

19



OFICINA ESPAÑOLA DE
PATENTES Y MARCAS

ESPAÑA



11 Número de publicación: **2 709 357**

51 Int. Cl.:

C12Q 1/6886 (2008.01)

C12Q 1/6809 (2008.01)

G06F 19/20 (2011.01)

G06F 19/22 (2011.01)

G16H 50/30 (2008.01)

G16H 50/20 (2008.01)

12

TRADUCCIÓN DE PATENTE EUROPEA

T3

96 Fecha de presentación y número de la solicitud europea: **11.01.2012 E 16193596 (0)**

97 Fecha y número de publicación de la concesión europea: **14.11.2018 EP 3141617**

54 Título: **Métodos de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente analizando la expresión génica**

30 Prioridad:

11.01.2011 EP 11305024

20.01.2011 US 201161434514 P

45 Fecha de publicación y mención en BOPI de la traducción de la patente:
16.04.2019

73 Titular/es:

**INSERM (INSTITUT NATIONAL DE LA SANTÉ ET
DE LA RECHERCHE MÉDICALE) (33.3%)**

101, rue de Tolbiac

75013 Paris Cédex 13, FR;

UNIVERSITÉ PARIS DESCARTES (33.3%) y

**ASSISTANCE PUBLIQUE HÔPITAUX DE PARIS
(33.3%)**

72 Inventor/es:

GALON, JÉRÔME;

PAGES, FRANCK;

MLECNIK, BERNARD y

FRIDMAN, HERVE

74 Agente/Representante:

ELZABURU, S.L.P

ES 2 709 357 T3

Aviso: En el plazo de nueve meses a contar desde la fecha de publicación en el Boletín Europeo de Patentes, de la mención de concesión de la patente europea, cualquier persona podrá oponerse ante la Oficina Europea de Patentes a la patente concedida. La oposición deberá formularse por escrito y estar motivada; sólo se considerará como formulada una vez que se haya realizado el pago de la tasa de oposición (art. 99.1 del Convenio sobre Concesión de Patentes Europeas).

DESCRIPCIÓN

Métodos de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente analizando la expresión génica

Campo de la invención

La presente invención se refiere a un método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente analizando la expresión génica en una muestra obtenida de dicho paciente.

Antecedentes de la invención

El cáncer sigue siendo un problema de salud pública grave en los países desarrollados. Por consiguiente, para ser más eficaz, el tratamiento del cáncer requiere no solo la detección y el tratamiento precoz o la eliminación del tumor maligno, sino una evaluación fiable de la gravedad del tumor maligno y una predicción de la probabilidad de recidiva del cáncer. El estadio de un cáncer indica hasta qué punto se ha extendido un cáncer. La estadificación es importante debido a que el tratamiento se decide frecuentemente según el estadio de un cáncer. Hasta la fecha, los cánceres se clasifican generalmente según el sistema UICC-TNM. El sistema de clasificación TNM (de "Tumor-Nodo-Metástasis") usa el tamaño del tumor, la presencia o ausencia de tumor en ganglios linfáticos regionales, y la presencia o ausencia de metástasis a distancia, para asignar un estadio al tumor. El sistema TNM se desarrolló a partir de la observación de que pacientes con tumores pequeños tienen mejor pronóstico que aquellos con tumores de mayor tamaño en el sitio primario. En general, los pacientes con tumores confinados al sitio primario tienen mejor pronóstico que aquellos con afectación de los ganglios linfáticos regionales, que a su vez es mejor que para aquellos con diseminación a distancia de la enfermedad a otros órganos. Por consiguiente, el cáncer puede dividirse generalmente en cuatro estadios. El estadio I es cáncer muy localizado sin cáncer en los ganglios linfáticos. El cáncer de estadio II se ha extendido a los ganglios linfáticos. El cáncer de estadio III se ha extendido cerca de donde el cáncer empezó. El cáncer de estadio IV se ha extendido a otra parte del cuerpo. El estadio asignado se usa como base para la selección de una terapia apropiada y para fines de pronóstico.

Las clasificaciones TNM anteriores, aunque sean útiles, son imperfectas y no permiten un pronóstico fiable del desenlace de los cánceres. Recientemente, Galon *et al.* sugirieron que analizar la expresión de genes relacionados con la respuesta inmunitaria adaptativa dentro del tumor puede ser adecuado para predecir el desenlace de un cáncer en un paciente (documento WO2007045996). Así, proporcionan un listado de genes y combinación de los mismos que puede ser útil para el pronóstico de pacientes en cuanto a la progresión de cáncer. Sin embargo, los métodos representados en dicho documento no señalan combinaciones particulares de genes que proporcionan un mejor rendimiento que la clasificación TNM para predecir el desenlace de un cáncer en un paciente.

Compendio de la invención:

La presente invención se refiere a un método de predicción del desenlace de un cáncer que comprende una etapa que consiste en determinar el nivel de expresión de un grupo de genes que consiste en al menos 5 genes en una muestra obtenida de dicho paciente, en donde dicho grupo de genes se selecciona del grupo que consiste en los grupos representados en la Tabla 5-15

Descripción detallada de la invención:

La solicitud de patente internacional WO2007045996 se refiere a una selección general de los genes más importantes (~300) que describen el microentorno tumoral, que se hizo sin considerar combinaciones entre ellos. El posible número de grupos no redundantes de alrededor de 15 de los 300 genes descritos en la solicitud de patente internacional WO2007045996 supera $1,0E+37$. Para limitar el número de grupos, solo se usaron 15 genes que se mantuvieron altamente significativos con la prueba del orden logarítmico después de validación cruzada de 100x en una cohorte de 77 pacientes en estadio de Estadio I/II/III. Por consiguiente, la presente invención se centra en la exactitud predictiva de un modelo de Cox multivariante basado en un número acumulado de combinaciones de genes en vez de en la importancia de genes individuales. Más particularmente, la presente descripción se refiere a diversos grupos de genes para predecir el desenlace de un cáncer en el paciente (Tabla 1 a Tabla 15). Se demostró, determinando las curvas ROC para cada uno de dichos grupos, que la mayoría de ellos proporcionan mayores sensibilidades y selectividades que la clasificación UICC-TNM.

Por consiguiente, la presente invención se refiere a un método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente que comprende una etapa que consiste en determinar el nivel de expresión de un grupo de genes que consiste en al menos 5 genes en una muestra obtenida de dicho paciente, en donde dicho grupo de genes comprende al menos 5 genes seleccionados del grupo que consiste en GZMH, IFNG, CXCL13, GNLY, LAG3, ITGAE, CCL5, CXCL9, PF4, IL17A, TSLP, REN, IHH, PROM1 y VEGFA.

Todos los genes concernientes a la invención son de por sí conocidos, y se enumeran en las siguientes Tablas A:

Gen	Nombre	ID de gen
GNLY	granulisina	10578
PF4	factor plaquetario	5196
LAG3	gen 3 de activación de linfocitos	3902
CXCL13	ligando 13 de quimiocina (motivo C-X-C)	10563
CXCL9	ligando 9 de quimiocina (motivo C-X-C)	4283
REN	renina	8972
ITGAE	integrina, alfa E (antígeno CD103, antígeno 1 de linfocitos de la mucosa humana; polipéptido alfa)	3682
CCL5	ligando 5 de quimiocina (motivo C-C)	6352
TSLP	linfopoyetina del estroma tímico	85480
IL17A	interleucina 17A	3605
PROM1	prominina 1	8842
IHH	hedgehog indio	3549
GZMH	granzima H (similar a catepsina G 2, proteína h-CCPX)	2999
IFNG	interferón, gamma	3548
VEGFA	factor de crecimiento endotelial vascular A	7422

Tabla A: listado de genes según la invención

- 5 La expresión "grupo de genes" se refiere a un conjunto de al menos un gen seleccionado del grupo que consiste en los genes de la Tabla A. Por consiguiente, dicho grupo de genes puede comprender 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16 o 17 genes de la Tabla A.

Como se emplea en esta memoria, el término "paciente" indica un mamífero. En una realización preferida de la invención, un paciente según la invención es un ser humano.

- 10 El término "muestra" significa cualquier muestra de tejido procedente del paciente. Dicha muestra de tejido se obtiene con el fin de evaluación *in vitro*. La muestra puede ser una recién obtenida, congelada, fijada (p. ej., fijada en formalina) o incluida (p. ej., incluida en parafina). En una realización particular, la muestra es el resultado de una biopsia realizada en la muestra de tumor del paciente. Por ejemplo, una biopsia endoscópica realizada en el intestino del paciente afectado por un cáncer colorrectal.

Grupos de genes basados en GNLY

- 15 Un aspecto de la invención se refiere a un método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente que comprende una etapa que consiste en determinar el nivel de expresión de un grupo de genes en una muestra obtenida de dicho paciente, en donde dicho grupo de genes comprende GNLY.

- 20 Los inventores han demostrado de hecho que dicho gen proporciona una mayor exactitud para predecir el desenlace de un cáncer que la clasificación UICC-TNM (es decir, el gen proporciona una curva ROC que da como resultado una mayor área bajo la curva que aquella con TNM) (véase la Tabla 1).

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 5 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 5 que comprende GNLY. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN.

- 25 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 6 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 6 que comprende GNLY. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 7 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 7 que comprende GNLY. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN.

5 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 8 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 8 que comprende GNLY. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1.

10 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 9 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 9 que comprende GNLY. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1.

15 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 10 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 10 que comprende GNLY. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA.

20 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 11 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 11 que comprende GNLY. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 12 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 12 que comprende GNLY. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

25 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 13 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 13 que comprende GNLY. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

30 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 14 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 14 que comprende GNLY. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

35 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 15 genes. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

Grupos de genes basados en LAG3:

Un aspecto de la invención se refiere a un método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente que comprende una etapa que consiste en determinar el nivel de expresión de un grupo de genes en una muestra obtenida de dicho paciente, en donde dicho grupo de genes comprende LAG3.

40 Los inventores han demostrado de hecho que dicho gen proporciona una mayor exactitud para predecir el desenlace de un cáncer que la clasificación UICC-TNM (es decir, el gen proporciona una curva ROC que da como resultado una mayor área bajo la curva que aquella con TNM) (véase la Tabla 1).

45 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 5 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 5 que comprende LAG3. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 6 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 6 que comprende LAG3. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN.

50 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 7 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 7 que comprende LAG3. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 8 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 8 que comprende LAG3. En una

realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN.

5 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 9 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 9 que comprende LAG3. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1.

10 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 10 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 10 que comprende LAG3. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 11 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 11 que comprende LAG3. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA.

15 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 12 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 12 que comprende LAG3. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

20 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 13 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 13 que comprende LAG3. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

25 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 14 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 14 que comprende LAG3. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 15 genes. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

30 **Grupos de genes basados en CXCL13:**

Un aspecto de la invención se refiere a un método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente que comprende una etapa que consiste en determinar el nivel de expresión de un grupo de genes en una muestra obtenida de dicho paciente, en donde dicho grupo de genes comprende CXCL13.

35 Los inventores han demostrado de hecho que dicho gen proporciona una mayor exactitud para predecir el desenlace de un cáncer que la clasificación UICC-TNM (es decir, el gen proporciona una curva ROC que da como resultado una mayor área bajo la curva que aquella con TNM) (véase la Tabla 1).

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 5 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 5 que comprende CXCL13. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN.

40 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 6 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 6 que comprende CXCL13. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN.

45 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 7 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 7 que comprende CXCL13. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN.

50 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 8 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 8 que comprende CXCL13. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 9 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 9 que comprende CXCL13. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 10 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 10 que comprende CXCL13. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

- 5 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 11 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 11 que comprende CXCL13. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

- 10 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 12 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 12 que comprende CXCL13. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

- 15 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 13 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 13 que comprende CXCL13. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

- 20 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 14 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 14 que comprende CXCL13. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 15 genes. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

Grupos de genes basados en PF4:

- 25 Un aspecto de la invención se refiere a un método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente que comprende una etapa que consiste en determinar el nivel de expresión de un grupo de genes en una muestra obtenida de dicho paciente, en donde dicho grupo de genes comprende PF4.

- 30 Los inventores han demostrado de hecho que dicho gen proporciona una mayor exactitud para predecir el desenlace de un cáncer que la clasificación UICC-TNM (es decir, el gen proporciona una curva ROC que da como resultado una mayor área bajo la curva que aquella con TNM) (véase la Tabla 1).

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 5 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 5 que comprende PF4. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN.

- 35 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 6 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 6 que comprende PF4. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN.

- 40 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 7 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 7 que comprende PF4. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 8 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 8 que comprende PF4. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1.

- 45 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 9 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 9 que comprende PF4. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1.

- 50 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 10 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 10 que comprende PF4. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 11 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 11 que comprende PF4. En una

realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

5 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 12 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 12 que comprende PF4. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

10 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 13 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 13 que comprende PF4. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 14 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 14 que comprende PF4. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

15 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 15 genes. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

Grupos de genes basados en CXCL9:

20 Un aspecto de la invención se refiere a un método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente que comprende una etapa que consiste en determinar el nivel de expresión de un grupo de genes en una muestra obtenida de dicho paciente, en donde dicho grupo de genes comprende CXCL9.

Los inventores han demostrado de hecho que dicho gen proporciona una mayor exactitud para predecir el desenlace de un cáncer que la clasificación UICC-TNM (es decir, el gen proporciona una curva ROC que da como resultado una mayor área bajo la curva que aquella con TNM) (véase la Tabla 1).

25 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 5 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 5 que comprende CXCL9. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN.

30 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 6 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 6 que comprende CXCL9. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 7 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 7 que comprende CXCL9. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN.

35 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 8 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 8 que comprende CXCL9. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN.

40 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 9 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 9 que comprende CXCL9. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN.

45 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 10 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 10 que comprende CXCL9. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA.

50 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 11 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 11 que comprende CXCL9. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 12 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 12 que comprende CXCL9. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 13 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 13 que comprende CXCL9. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

- 5 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 14 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 14 que comprende CXCL9. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

- 10 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 15 genes. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

Grupos de genes basados en REN:

- 15 Un aspecto de la invención se refiere a un método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente que comprende una etapa que consiste en determinar el nivel de expresión de un grupo de genes en una muestra obtenida de dicho paciente, en donde dicho grupo de genes comprende REN.

Los inventores han demostrado de hecho que dicho gen proporciona una mayor exactitud para predecir el desenlace de un cáncer que la clasificación UICC-TNM (es decir, el gen proporciona una curva ROC que da como resultado una mayor área bajo la curva que aquella con TNM) (véase la Tabla 1).

- 20 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 5 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 5 que comprende REN. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 6 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 6 que comprende REN. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN.

- 25 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 7 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 7 que comprende REN. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN.

- 30 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 8 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 8 que comprende REN. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1.

- 35 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 9 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 9 que comprende REN. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1.

- 40 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 10 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 10 que comprende REN. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 11 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 11 que comprende REN. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

- 45 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 12 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 12 que comprende REN. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

- 50 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 13 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 13 que comprende REN. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 14 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 14 que comprende REN. En una

realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 15 genes. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

Grupos de genes basados en ITGAE

Un aspecto de la invención se refiere a un método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente que comprende una etapa que consiste en determinar el nivel de expresión de un grupo de genes en una muestra obtenida de dicho paciente, en donde dicho grupo de genes comprende ITGAE.

10 Los inventores han demostrado de hecho que dicho gen proporciona una mayor exactitud para predecir el desenlace de un cáncer que la clasificación UICC-TNM (es decir, el gen proporciona una curva ROC que da como resultado una mayor área bajo la curva que aquella con TNM) (véase la Tabla 1).

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 5 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 5 que comprende ITGAE. En una
15 realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + REN.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 6 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 6 que comprende ITGAE. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 7 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 7 que comprende ITGAE. En una
20 realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 8 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 8 que comprende ITGAE. En una
25 realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 9 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 9 que comprende ITGAE. En una
30 realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 10 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 10 que comprende ITGAE. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA.

35 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 11 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 11 que comprende ITGAE. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 12 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 12 que comprende ITGAE. En una
40 realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 13 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 13 que comprende ITGAE. En una
45 realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 14 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 14 que comprende ITGAE. En una
50 realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 15 genes. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

Grupos de genes basados en CCL5

Un aspecto de la invención se refiere a un método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente que comprende una etapa que consiste en determinar el nivel de expresión de un grupo de genes en una muestra obtenida de dicho paciente, en donde dicho grupo de genes comprende CCL5.

- 5 Los inventores han demostrado de hecho que dicho gen proporciona una mayor exactitud para predecir el desenlace de un cáncer que la clasificación UICC-TNM (es decir, el gen proporciona una curva ROC que da como resultado una mayor área bajo la curva que aquella con TNM) (véase la Tabla 1).

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 5 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 5 que comprende CCL5. En una
10 realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 6 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 6 que comprende CCL5. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN.

15 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 7 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 7 que comprende CCL5. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 8 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 8 que comprende CCL5. En una
20 realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 9 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 9 que comprende CCL5. En una
25 realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 10 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 10 que comprende CCL5. En una
realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA.

30 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 11 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 11 que comprende CCL5. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

35 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 12 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 12 que comprende CCL5. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

40 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 13 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 13 que comprende CCL5. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

45 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 14 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 14 que comprende CCL5. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 15 genes. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

Grupos de genes basados en TSLP

50 Un aspecto de la invención se refiere a un método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente que comprende una etapa que consiste en determinar el nivel de expresión de un grupo de genes en una muestra obtenida de dicho paciente, en donde dicho grupo de genes comprende TSLP.

Los inventores han demostrado de hecho que dicho gen proporciona una mayor exactitud para predecir el desenlace

de un cáncer que la clasificación UICC-TNM (es decir, el gen proporciona una curva ROC que da como resultado una mayor área bajo la curva que aquella con TNM) (véase la Tabla 1).

5 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 5 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 5 que comprende TSLP. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 6 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 6 que comprende TSLP. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN.

10 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 7 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 7 que comprende TSLP. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN.

15 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 8 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 8 que comprende TSLP. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN.

20 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 9 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 9 que comprende TSLP. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 10 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 10 que comprende TSLP. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1.

25 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 11 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 11 que comprende TSLP. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA.

30 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 12 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 12 que comprende TSLP. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

35 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 13 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 13 que comprende TSLP. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

40 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 14 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 14 que comprende TSLP. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 15 genes. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

Grupos de genes basados en IL17A

45 Un aspecto de la invención se refiere a un método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente que comprende una etapa que consiste en determinar el nivel de expresión de un grupo de genes en una muestra obtenida de dicho paciente, en donde dicho grupo de genes comprende IL17A.

50 Los inventores han demostrado de hecho que dicho gen proporciona una mayor exactitud para predecir el desenlace de un cáncer que la clasificación UICC-TNM (es decir, el gen proporciona una curva ROC que da como resultado una mayor área bajo la curva que aquella con TNM) (véase la Tabla 1).

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 5 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 5 que comprende IL17A. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 6 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 6 que comprende IL17A. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN.

5 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 7 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 7 que comprende IL17A. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN.

10 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 8 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 8 que comprende IL17A. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1.

15 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 9 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 9 que comprende IL17A. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 10 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 10 que comprende IL17A. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA.

20 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 11 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 11 que comprende IL17A. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

25 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 12 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 12 que comprende IL17A. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

30 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 13 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 13 que comprende IL17A. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

35 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 14 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 14 que comprende IL17A. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 15 genes. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

Grupos de genes basados en GZMH

40 Un aspecto de la invención se refiere a un método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente que comprende una etapa que consiste en determinar el nivel de expresión de un grupo de genes en una muestra obtenida de dicho paciente, en donde dicho grupo de genes comprende GZMH.

45 Los inventores han demostrado de hecho que dicho gen proporciona una mayor exactitud para predecir el desenlace de un cáncer que la clasificación UICC-TNM (es decir, el gen proporciona una curva ROC que da como resultado una mayor área bajo la curva que aquella con TNM) (véase la Tabla 1).

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 5 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 5 que comprende GZMH. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + GNLY + PF4 + IL17A + REN.

50 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 6 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 6 que comprende GZMH. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 7 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 7 que comprende GZMH. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A +

REN.

- 5 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 8 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 8 que comprende GZMH. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN.
- En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 9 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 9 que comprende GZMH. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1.
- 10 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 10 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 10 que comprende GZMH. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA.
- 15 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 11 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 11 que comprende GZMH. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.
- 20 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 12 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 12 que comprende GZMH. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.
- 25 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 13 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 13 que comprende GZMH. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.
- En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 14 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 14 que comprende GZMH. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.
- 30 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 15 genes. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

Grupos de genes basados en PROM1

- 35 Un aspecto de la invención se refiere a un método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente que comprende una etapa que consiste en determinar el nivel de expresión de un grupo de genes en una muestra obtenida de dicho paciente, en donde dicho grupo de genes comprende PROM1.
- Los inventores han demostrado de hecho que dicho gen proporciona una mayor exactitud para predecir el desenlace de un cáncer que la clasificación UICC-TNM (es decir, el gen proporciona una curva ROC que da como resultado una mayor área bajo la curva que aquella con TNM) (véase la Tabla 1).
- 40 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 5 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 5 que comprende PROM1. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GNLY + PF4 + IL17A + REN + PROM1.
- En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 6 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 6 que comprende PROM1. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN + PROM1.
- 45 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 7 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 7 que comprende PROM1. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1.
- 50 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 8 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 8 que comprende PROM1. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 9 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 9 que comprende PROM1. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1.

- 5 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 10 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 10 que comprende PROM1. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA.

- 10 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 11 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 11 que comprende PROM1. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

- 15 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 12 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 12 que comprende PROM1. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

- 20 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 13 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 13 que comprende PROM1. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 14 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 14 que comprende PROM1. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

- 25 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 15 genes. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

Grupos de genes basados en IHH

- 30 Un aspecto de la invención se refiere a un método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente que comprende una etapa que consiste en determinar el nivel de expresión de un grupo de genes en una muestra obtenida de dicho paciente, en donde dicho grupo de genes comprende IHH.

Los inventores han demostrado de hecho que dicho gen proporciona una mayor exactitud para predecir el desenlace de un cáncer que la clasificación UICC-TNM (es decir, el gen proporciona una curva ROC que da como resultado una mayor área bajo la curva que aquella con TNM) (véase la Tabla 1).

- 35 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 5 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 5 que comprende IHH. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH.

- 40 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 6 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 6 que comprende IHH. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 7 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 7 que comprende IHH. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH.

- 45 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 8 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 8 que comprende IHH. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH.

- 50 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 9 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 9 que comprende IHH. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 10 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 10 que comprende IHH. En una

realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 11 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 11 que comprende IHH. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 12 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 12 que comprende IHH. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 13 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 13 que comprende IHH. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 14 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 14 que comprende IHH. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 15 genes. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

Grupos de genes basados en IFNG

Un aspecto de la invención se refiere a un método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente que comprende una etapa que consiste en determinar el nivel de expresión de un grupo de genes en una muestra obtenida de dicho paciente, en donde dicho grupo de genes comprende IFNG.

Los inventores han demostrado de hecho que dicho gen proporciona una mayor exactitud para predecir el desenlace de un cáncer que la clasificación UICC-TNM (es decir, el gen proporciona una curva ROC que da como resultado una mayor área bajo la curva que aquella con TNM) (véase la Tabla 1).

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 5 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 5 que comprende IFNG. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 6 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 6 que comprende IFNG. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 7 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 7 que comprende IFNG. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 8 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 8 que comprende IFNG. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 9 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 9 que comprende IFNG. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 10 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 10 que comprende IFNG. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 11 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 11 que comprende IFNG. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 12 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 12 que comprende IFNG. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

- 5 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 13 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 13 que comprende IFNG. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

- 10 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 14 genes. Por ejemplo, dicho grupo de genes puede seleccionarse según cualquier combinación descrita en la Tabla 14 que comprende IFNG. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

- 15 En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación de 15 genes. En una realización particular, el grupo de genes consiste en la combinación GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA.

Técnicas de medición del nivel de expresión de los grupos de genes:

La medición del nivel de expresión de los grupos de genes de la invención en la muestra obtenida del paciente puede realizarse mediante una diversidad de técnicas muy conocidas en la técnica.

- 20 Normalmente, el nivel de expresión de un gen puede determinarse determinando la cantidad de ARNm. Los métodos de determinación de la cantidad de ARNm son muy conocidos en la técnica. Por ejemplo, el ácido nucleico contenido en las muestras (p. ej., célula o tejido preparado a partir del paciente) se extrae primero según métodos convencionales, por ejemplo, usando enzimas líticas o soluciones químicas, o se extrae por resinas de unión a ácidos nucleicos siguiendo las instrucciones del fabricante. El ARNm extraído se detecta entonces por hibridación (p. ej., análisis de transferencia de Northern) y/o amplificación (p. ej., RT-PCR). Preferiblemente, se prefiere RT-PCR
- 25 cuantitativa o semicuantitativa. Es particularmente ventajosa la RT-PCR cuantitativa o semicuantitativa en tiempo real.

Otros métodos de amplificación incluyen reacción en cadena de la ligasa (LCR), amplificación mediada por transcripción (TMA), amplificación con desplazamiento de hebra (SDA) y amplificación basada en la secuencia de ácidos nucleicos (NASBA).

- 30 Los ácidos nucleicos que tienen al menos 10 nucleótidos y que presentan complementariedad de secuencias u homología con el ARNm de interés en el presente documento encuentran utilidad como sondas de hibridación o cebadores de amplificación. Se entiende que tales ácidos nucleicos no necesitan ser idénticos, pero normalmente son al menos aproximadamente el 80 % idénticos a la región homóloga de tamaño comparable, más preferentemente el 85 % idénticos e incluso más preferiblemente el 90-95 % idénticos. En determinadas realizaciones, será ventajoso usar ácidos nucleicos en combinación con medios apropiados, tales como una marca detectable, para detectar la
- 35 hibridación. Se conocen en la técnica una amplia diversidad de indicadores apropiados que incluyen ligandos fluorescentes, radiactivos, enzimáticos u otros ligandos (p. ej., avidina/biotina).

- 40 Las sondas normalmente comprenden ácidos nucleicos monocatenarios de entre 10 y 1000 nucleótidos de longitud, por ejemplo, de entre 10 y 800, más preferiblemente de entre 15 y 700, normalmente de entre 20 y 500. Los cebadores normalmente son ácidos nucleicos monocatenarios más cortos, de entre 10 y 25 nucleótidos de longitud, diseñados para coincidir perfectamente o casi perfectamente con un ácido nucleico de interés, que va a amplificarse. Las sondas y cebadores son "específicos" para los ácidos nucleicos con los que se hibridan, es decir, se hibridan preferiblemente en condiciones de hibridación de alta rigurosidad (correspondientes a la mayor temperatura de fusión T_m , p. ej., formamida al 50 %, SCC 5x o 6x. SCC es NaCl 0,15 M, citrato de Na 0,015 M).

- 45 Los cebadores o sondas de ácidos nucleicos usados en el método de amplificación y de detección anterior pueden ensamblarse como un kit. Dicho kit incluye cebadores consenso y sondas moleculares. Un kit preferido también incluye los componentes necesarios para determinar si se ha producido la amplificación. El kit también puede incluir, por ejemplo, tampones y enzimas de PCR; secuencias de control positivo, cebadores de control de la reacción e instrucciones para amplificar y detectar las secuencias específicas.

- 50 En una realización particular, los métodos de la invención comprenden las etapas de proporcionar los ARN totales extraídos de células del cúmulo y someter los ARN a amplificación e hibridación con sondas específicas, más particularmente mediante una RT-PCR cuantitativa o semicuantitativa.

- 55 En otra realización preferida, el nivel de expresión se determina por análisis de chip de ADN. Tal chip de ADN o micromatriz de ácido nucleico consiste en diferentes sondas de ácido nucleico que están químicamente unidas a un sustrato, que puede ser un microchip, un portaobjetos de vidrio o una perla dimensionada como microesfera. Un microchip puede estar constituido de polímeros, plásticos, resinas, polisacáridos, sílice o materiales basados en sílice, carbono, metales, vidrios inorgánicos o nitrocelulosa. Las sondas comprenden ácidos nucleicos tales como los ADNc

u oligonucleótidos que pueden tener aproximadamente 10 a aproximadamente 60 pares de bases. Para determinar el nivel de expresión, una muestra de un sujeto de prueba, opcionalmente sometido primero a una transcripción inversa, se marca y se pone en contacto con la micromatriz en condiciones de hibridación, conduciendo a la formación de complejos entre ácidos nucleicos diana que son complementarios a secuencias de sonda unidas a la superficie de la micromatriz. Entonces, se detectan los complejos hibridados marcados y pueden cuantificarse o semicuantificarse. El marcado puede lograrse por diversos métodos, p. ej., usando marcado radiactivo o fluorescente. Están disponibles muchas variantes de la tecnología de hibridación de micromatrices para el experto en la técnica (véase, p. ej., la revisión por Hoheisel, Nature Reviews, Genetics, 2006, 7:200-210).

El nivel de expresión de un gen puede expresarse como nivel de expresión absoluto o nivel de expresión normalizado. Normalmente, los niveles de expresión se normalizaron corrigiendo el nivel de expresión absoluto de un gen comparando su expresión con la expresión de un gen que no es uno relevante para determinar el estadio de cáncer del paciente, p. ej., un gen constitutivo que se expresa constitutivamente. Los genes adecuados para la normalización incluyen genes de constitutivos tales como el gen de la actina ACTB, gen de 18S ribosómico, GUSB, PGK1 y TFRC. Esta normalización permite la comparación del nivel de expresión en una muestra, p. ej., una muestra de paciente, con otra muestra, o entre muestras de fuentes diferentes.

Niveles de referencia

Se contempla específicamente que la invención puede usarse para evaluar diferencias entre estadios del cáncer, tales como entre hiperplasia, neoplasia, precáncer y cáncer, o entre un tumor primario y un tumor metastatizado.

Por tanto, los métodos de la invención comprenden además una etapa que consiste en comparar el nivel de expresión de un grupo de genes (como se ha descrito anteriormente) determinado en la muestra del paciente con un nivel de expresión de referencia de dicho grupo de genes, en donde una diferencia entre dichos niveles de expresión es indicativa de un estadio del cáncer en el paciente.

Los niveles de expresión de referencia según la invención se correlacionan con un estadio de cáncer específico. Los niveles de expresión de referencia pueden así consistir en el nivel de expresión de dicho grupo de genes en una referencia de tejido tal como un tejido representativo de un estadio no canceroso o un tejido representativo de un tejido representativo de estadio de cáncer. Por consiguiente, los niveles de referencia pueden determinarse llevando a cabo un método que comprende las etapas de a) proporcionar al menos un conjunto de muestras de tejido de tumor seleccionado del grupo que consiste en un conjunto de muestras de tejido de tumor de pacientes con cáncer que tienen diferentes estadios tales como entre hiperplasia, neoplasia, precáncer y cáncer, o entre un tumor primario y un tumor metastatizado, b) determinar para cada muestra de tejido de tumor comprendida en un conjunto de muestras de tejido de tumor proporcionadas en la etapa a) el nivel de expresión de dicho grupo de genes

Alternativamente, el nivel de expresión determinado para un grupo de genes puede expresarse como una puntuación. Normalmente, dicha puntuación puede obtenerse i) determinando para cada gen del grupo su nivel de expresión en la muestra, ii) asignando para cada gen un coeficiente positivo (p. ej., +1) cuando el gen está asociado a un buen pronóstico y un coeficiente negativo (p. ej., -1) cuando el gen está asociado a un mal pronóstico y iii) multiplicando el nivel de expresión de un gen con el coeficiente asignado en la etapa ii) y iv) sumando todos los valores que se determinan en la etapa iii) para obtener dicha puntuación. Normalmente, un coeficiente de +1 se asigna a los genes asociados a un buen pronóstico, concretamente GNLY, CXCL13, CXCL9, LAG3, CCL5, GZMH, ITGAE e IFNG, y un coeficiente de -1 se asigna a los genes asociados a un mal pronóstico, concretamente PF4, REN, TSLP, IL17A, PROM1, IHH y VEGFA. Preferiblemente, los niveles de expresión se expresan como niveles de expresión normalizados como se ha descrito anteriormente.

La ventaja de dicha puntuación es facilitar la etapa de comparación con los niveles de referencia que pueden expresarse como "valores de corte". Por ejemplo, el valor de referencia ("corte") representa la puntuación calculada para el grupo de genes de interés en una muestra de tejido representativa de un estadio de cáncer específico. Los valores de corte también pueden determinarse llevando a cabo un método que comprende las etapas de:

- a) seleccionar un grupo de genes para el que va a determinarse un valor de referencia;
- b) proporcionar un conjunto de muestras de tejido de tumor de pacientes con cáncer;
- c) proporcionar, para cada muestra tumoral proporcionada en la etapa b), información referente al desenlace clínico real para el paciente con cáncer correspondiente;
- d) proporcionar una serie de valores arbitrarios para dicho grupo de genes obtenidos en la etapa a)
- e) calcular la puntuación de dicho grupo de genes proporcionado en la etapa a) para cada muestra de tejido de tumor contenida en el conjunto proporcionado en la etapa b)
- f) clasificar dichas muestras tumorales en dos grupos para un valor arbitrario específico proporcionado en la etapa c), respectivamente:

(i) un primer grupo que comprende muestras tumorales que presentan una puntuación para dicho grupo de genes que es inferior a dicho valor arbitrario contenido en dicha serie de valores;

(ii) un segundo grupo que comprende muestras tumorales que presentan una puntuación para dicho grupo de genes que es superior a dicho valor arbitrario contenido en dicha serie de valores;

5 por medio de lo cual se obtienen dos grupos de muestras tumorales para dicho valor específico, en donde las muestras tumorales de cada grupo se enumeran por separado;

g) calcular la significación estadística entre (i) la puntuación para dicho grupo de genes obtenida en la etapa e) y (ii) el desenlace clínico real de los pacientes de los que proceden las muestras tumorales contenidas en el primer y segundo grupos definidos en la etapa f);

10 h) reiterar las etapas f) y g) hasta que se pruebe cada valor arbitrario proporcionado en la etapa d);

i) establecer dicho valor de referencia (valor de "corte") como que consiste en el valor arbitrario para el que se ha calculado la mayor significación estadística (la más significativa) en la etapa g). Como se describe anteriormente, dicho método permite el establecimiento de un único valor de "corte" que permite la discriminación entre un mal y un buen pronóstico del desenlace. Prácticamente, generalmente se obtienen valores de alta significación estadística (p. ej., valores de P bajos) para un intervalo de valores arbitrarios sucesivos, y no solo para un único valor arbitrario. Así, en una realización alternativa del método de determinación de los valores de "corte" anteriores, se establece arbitrariamente un valor de significación estadística mínima (umbral de significancia mínima, p. ej., valor de P umbral máximo) y se retiene el intervalo de valores arbitrarios para el que el valor de significación estadística calculado en la etapa g) es más alto (más significativo, p. ej., valor de P más bajo), por medio de lo cual se proporciona un intervalo de valores. Dicho intervalo de valores consiste en un valor de "corte" según la invención. Según esta realización específica de un valor de "corte", puede determinarse un mal o buen pronóstico del desenlace clínico comparando la puntuación obtenida para el grupo de genes con el intervalo de valores que delimita dicho valor de "corte". En determinadas realizaciones, un valor de corte que consiste en un intervalo de valores para el grupo de genes considerado consiste en un intervalo de valores centrado en el valor para el que se encuentra el valor de significación estadística más alta (p. ej., generalmente el valor de P mínimo que se encuentra). Normalmente, los valores de corte como se ha descrito anteriormente se determinan a partir de una cohorte de pacientes que tiene un tamaño suficiente, suficiente como para permitir una discriminación reproducible y precisa entre pacientes con buen pronóstico y pacientes con mal pronóstico.

En una realización particular, los valores de corte como se han descrito anteriormente pueden informarse en una tabla, de manera que el médico pueda comparar la puntuación obtenida para un paciente con dichos valores y pueda determinar fácilmente el estadio de cáncer para dicho paciente.

Cánceres:

Los métodos de la invención pueden realizarse para cualquier tipo de cánceres seleccionados del grupo que consiste en cáncer corticosuprarrenal, cáncer anal, cáncer de las vías biliares (p. ej., cáncer perifar, cáncer distal de las vías biliares, cáncer intrahepático de las vías biliares), cáncer de vejiga, cáncer de huesos (p. ej. osteoblastoma, osteocondroma, hemangioma, fibroma condromixioide, osteosarcoma, condrosarcoma, fibrosarcoma, histiocitoma fibroso maligno, tumor de células gigantes del hueso, cordoma, linfoma, mieloma múltiple), cáncer de cerebro y del sistema nervioso central (p. ej., meningioma, astrocitoma, oligodendrogliomas, ependimoma, gliomas, meduloblastoma, ganglioglioma, schwannoma, germinoma, craneofaringioma), cáncer de mama (p. ej., carcinoma ductal *in situ*, carcinoma ductal infiltrante, carcinoma lobular infiltrante, carcinoma lobular *in situ*, ginecomastia), enfermedad de Castleman (p. ej., hiperplasia de ganglio linfático gigante, hiperplasia de ganglio linfático angiofollicular), cáncer de cuello uterino, cáncer colorrectal, cáncer de endometrio (p. ej., adenocarcinoma de endometrio, adenocantoma, adenocarcinoma seroso papilar, célula clara), cáncer de esófago, cáncer de vesícula biliar (adenocarcinoma mucinoso, carcinoma de células pequeñas), tumores carcinoides gastrointestinales (p. ej., coriocarcinoma, mola invasiva), enfermedad de Hodgkin, linfoma no Hodgkin, sarcoma de Kaposi, cáncer de riñón (p. ej., cáncer de células renales), cáncer laríngeo e hipofaríngeo, cáncer de hígado (p. ej., hemangioma, adenoma hepático, hiperplasia nodular focal, carcinoma hepatocelular), cáncer de pulmón (p. ej., cáncer de pulmón de células pequeñas, cáncer de pulmón de células no pequeñas), mesotelioma, plasmocitoma, cáncer de las fosas nasales y senos paranasales (p. ej., estesioblastoma, granuloma de la línea media), cáncer nasofaríngeo, neuroblastoma, cáncer de la cavidad bucal y orofaríngeo, cáncer de ovario, cáncer pancreático, cáncer de pene, cáncer hipofisiario, cáncer de próstata, retinoblastoma, rhabdomyosarcoma (p. ej., rhabdomyosarcoma embrionario, rhabdomyosarcoma alveolar, rhabdomyosarcoma pleomórfico), cáncer de glándulas salivales, cáncer de piel (p. ej., melanoma, cáncer de piel no melanoma), cáncer de estómago, cáncer testicular (p. ej., seminoma, cáncer de células germinativas no seminoma), cáncer de timo, cáncer de tiroides (p. ej., carcinoma folicular, carcinoma anaplásico, carcinoma poco diferenciado, carcinoma tiroideo medular, linfoma de tiroides), cáncer vaginal, cáncer vulvar y cáncer uterino (p. ej., liomiosarcoma uterino). En una realización particular, el cáncer es un cáncer colorrectal.

En una realización particular, el cáncer está en el estadio I, II, III o IV, determinado por la clasificación TNM.

Pueden aplicarse los métodos de la invención para controlar el tratamiento (p. ej., compuestos de fármaco) del

paciente. Por ejemplo, la eficacia de un agente para afectar el nivel de expresión del grupo de genes (como se describe en lo sucesivo en el presente documento) según la invención puede controlarse durante los tratamientos de pacientes que reciben tratamientos contra el cáncer.

- 5 El "tratamiento contra el cáncer", que se refiere en la definición de la etapa a) anterior, se refiere a cualquier tipo de terapia del cáncer recibida por los pacientes con cáncer previamente a recoger las muestras de tejido de tumor, que incluye radioterapia, quimioterapia y cirugía, p. ej., resección quirúrgica del tumor.

Por consiguiente, la presente descripción se refiere a un método para controlar el tratamiento de un paciente afectado de un cáncer, comprendiendo dicho método las etapas que consisten en:

- i) determinar el estadio de dicho cáncer antes de dicho tratamiento realizando el método de la invención
- 10 ii) determinar el estadio de dicho cáncer después de dicho tratamiento realizando el método de la invención
- iii) y comparar el estadio determinado en la etapa i) con el estadio determinado en la etapa ii), en donde una diferencia entre dichos estadios es indicativa de la eficacia del tratamiento.

15 La presente invención también se refiere a un método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente, en donde dicho método puede usarse independientemente de los métodos de estadificación del cáncer clinicopatológicos convencionales, y cuyo método comprende determinar el nivel de expresión de un grupo de genes según la invención.

Kits:

20 Un objeto adicional de la invención se refiere al uso de un kit para realizar los métodos de la invención, en donde dichos kits comprenden medios para medir el nivel de expresión de los grupos de genes de la invención en la muestra obtenida del paciente, en donde dicho grupo de genes comprende al menos 5 genes seleccionados del grupo que consiste en GZMH, IFNG, CXCL13, GNLY, LAG3, ITGAE, CCL5, CXCL9, PF4, IL17A, TSLP, REN, IHH, PROM1 y VEGFA. Los kits pueden incluir sondas, cebadores, macromatrices o micromatrices como se ha descrito anteriormente.

25 Por ejemplo, el kit puede comprender un conjunto de sondas como se ha definido anteriormente, habitualmente hechas de ADN, y que pueden estar premarcadas. Alternativamente, las sondas pueden estar sin marcar y los componentes para el marcado pueden incluirse en el kit en recipientes separados. El kit puede comprender además reactivos de hibridación u otros reactivos y materiales adecuadamente envasados necesarios para el protocolo de hibridación particular, que incluye matrices de fase sólida, si es aplicable, y patrones.

30 Alternativamente, el kit puede comprender cebadores de amplificación que pueden estar premarcados o pueden contener un resto de purificación o unión por afinidad. El kit puede comprender además reactivos de amplificación y también otros reactivos y materiales adecuadamente envasados necesarios para el protocolo de amplificación particular.

En una realización particular, el kit comprende medios para determinar el nivel de expresión de un grupo de genes en una muestra obtenida de dicho paciente, en donde dicho grupo de genes comprende GNLY (o PF4, o LAG3, o CXCL13, o CXCL9, o REN, o ITGAE, o CCL5, o TSLP, o IL17A, o PROM1, o IHH, o GZMH, o IFNG, o VEGFA).

35 En una realización particular, el kit comprende medios para determinar el nivel de expresión de un gen representado por cualquier combinación descrita en la Tabla 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13 o 14 que comprende GNLY (o PF4, o LAG3, o CXCL13, o CXCL9, o REN, o ITGAE, o CCL5, o TSLP, o IL17A, o PROM1, o IHH, o GZMH, o IFNG, o VEGFA).

La invención se ilustrará adicionalmente por las siguientes figuras y ejemplos. Sin embargo, estos ejemplos y figuras no deben interpretarse de ningún modo como limitantes del alcance de la presente invención.

FIGURAS:

La Figura 1 muestra la curva ROC para el grupo "GNLY + PF4 + REN" y el grupo "GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA"

EJEMPLO:

Material y métodos

45 **Pacientes y datos:** Se revisaron las historias clínicas de pacientes con cáncer colorrectal (CCR) que se sometieron a una resección primaria de su tumor en los Hospitales Laennec-HEGP entre 1996 y 2004 y que fueron previamente descritos (Galon *et al.* 2006). Se seleccionaron todas las muestras tumorales congeladas (n=96) de pacientes de estadios I-III de UICC-TNM disponibles de los Hospitales Laennec-HEGP de 1996-2004, con calidad y cantidad de ARN suficiente. Las muestras de ARN analizadas fueron de 96 pacientes diferentes. Estos pacientes se usaron para

50 los experimentos de expresión génica (Taqman qPCR). El tiempo de observación en las cohortes fue el intervalo entre el diagnóstico y el último contacto (muerte o último seguimiento). Se censuraron los datos en el último seguimiento

para pacientes sin recaída, o muerte. Los valores mín:máx hasta la progresión/muerte o el último seguimiento fueron (0:136) meses, respectivamente. El tiempo hasta la reaparición o tiempo sin enfermedad se definió como el intervalo desde la fecha de cirugía hasta la fecha de recaída del tumor confirmada para pacientes que recayeron y desde la fecha de la cirugía hasta la fecha del último seguimiento para pacientes libres de enfermedad.

- 5 Se puntuaron los hallazgos histopatológicos y clínicos según el sistema de estadificación UICC-TNM. Los datos de seguimiento se recogieron prospectivamente y se actualizaron. Se construyó una base de datos basada en un sitio de internet seguro, TME.db (Tumor MicroEnvironment Database), en una arquitectura de 3 niveles usando Java-2 Enterprise-Edición (J2EE) para integrar los datos clínicos y los datos de tecnologías de alto rendimiento. Las implicaciones éticas, legales y sociales fueron autorizadas por el comité de revisión ética.
- 10 **Análisis estadístico:** Todos los distintivos se construyeron basándose en 96 pacientes de una cohorte de pacientes de CCR de estadio I-III de UICC-TNM y los 15 genes finales seleccionados. El rendimiento predictivo para cada combinación de genes se evaluó por el índice de concordancia de Harrel (índice c) y el índice c dependiente del tiempo (índice C_{τ}) (paquete R risksetROC) y se corresponden con el área bajo la curva de rendimiento diagnóstico (ABC) (índice c (Harrell FE *et al.* 1996) y ABCi (Heagerty PJ *et al.*, 2005), respectivamente). Se creó una tabla resumen para cada longitud de combinación modelo posible de 1 a 15 genes y se clasificó por el índice C_{τ} más alto. Adicionalmente, cada tabla muestra el número de genes que siguen siendo significativos en el modelo de Cox y un valor de P (U-statistics, Pencina MJ *et al.*, 2008) comparando el rendimiento de todos los modelos de un determinado número de genes con la mejor combinación de 15 genes, una con el mayor rendimiento con el mismo número de genes (índice C_{τ} más grande) y los criterios UICC (paquete R risksetROC y Hmisc).
- 15
- 20 Área dependiente del tiempo bajo ROC(t) (ABCi): Como la aparición del suceso es dependiente del tiempo, las curvas ROC dependientes del tiempo son más apropiadas que las convencionales (Heagerty PJ *et al.*, 2005). Heagerty PJ *et al.* propusieron resumir el potencial de discriminación de una puntuación de riesgo, estimada en el tiempo de diagnóstico/cirugía $t=0$, calculando curvas ROC para la aparición de sucesos acumulados en el tiempo t. A partir de la curva ROC puede calcularse ROC(t), el área bajo la curva integrada con el tiempo (ABCi). Cuanto mayor sea ABCi en el tiempo t, mejor es la predictibilidad del tiempo hasta el suceso (THS) en el tiempo t, así como la predictibilidad promedio del THS.
- 25

El índice de concordancia (índice c): El índice de concordancia (índice c) calcula la probabilidad de que, para una pareja de pacientes comparables aleatoriamente elegidos, el paciente con la predicción de riesgo más alta experimente un suceso antes que el paciente de riesgo más bajo. El índice c es una generalización del ABC(t) (ABCi), y no puede representar la evolución del rendimiento con respecto al tiempo (Harrell FE *et al.*, 1996). Cuanto mayor sea el índice c, mejor será la predictibilidad del tiempo hasta el suceso (THS).

Resultados

- 35 **Selección de los genes relevantes:** En una cohorte de 77 pacientes de estadios I/II/III, los presentes inventores determinaron la significancia del orden logarítmico de cada marcador individual usando el enfoque del valor de P mínimo para la dicotomización. Los valores de P obtenidos se corrigieron usando Altman *et al.* (Altman, D. G., Lausen, B., Sauerbrei, W. y Schumacher, M. Dangers of using "optimal" cutpoints in the evaluation of prognostic factors. J Natl Cancer Inst, 1994;86:829-35) y se validaron adicionalmente de forma cruzada. Las razones de riesgos instantáneos obtenidas con la dicotomización de los valores P mínimos se corrigieron usando Hollaender *et al.* (Hollaender N, Sauerbrei W, Schumacher M. Confidence intervals for the effect of a prognostic factor after selection of an 'optimal' cutpoint. Stat Med, 2004;23(11):1701-13). La selección final de los genes se basó en la mediana del valor de P de validación cruzada. Los presentes inventores eliminaron de los genes finales los genes distintivos que no se expresaron (ninguno de los valores determinados fue mayor que $\Delta Ct > 32$) aunque fueron significativos por orden logarítmico. Los presentes inventores terminaron finalmente con 15 marcadores, donde 8 muestran un buen desenlace cuando se expresaron altamente (es decir, GNLY, CXCL13, CXCL9, LAG3, CCL5, GZMH, ITGAE e IFNG) y 7 muestran un mal desenlace cuando se expresaron altamente (es decir, PF4, REN, TSLP, IL17A, PROM1, IHH y VEGFA). Todos los análisis se realizaron usando el paquete de supervivencia con R.
- 40
- 45

- 50 **Curvas ROC dependientes del tiempo y ABCi (exactitud predictiva dependiente del tiempo) usando modelos de regresión de Cox para supervivencia sin enfermedad (SSE):** En las cohortes de pacientes de estadio I/II, estadio I/II/III y estadio III usando los 15 genes seleccionados finales, los presentes inventores determinaron la exactitud predictiva dependiente del tiempo (área integrada bajo las curvas ROC, ABCi) (Heagerty PJ, Zheng Y. Survival model predictive accuracy and ROC curves. Biometrics, 2005, Mar; 61 (1):92-105). Todos los distintivos muestran curvas ROC estables dependientes del tiempo y ninguno de los distintivos viola la suposición de riesgos proporcionales de Cox.

- 55 Se dibujaron las curvas ROC y ABC basándose en la variable predictiva lineal de un modelo de regresión de Cox ajustado para el gen respectivo o la combinación de genes fueron los datos de genes introducidos sin dicotomizar en el modelo. Cada círculo en la representación de ABCi indica un suceso (recaída) de un paciente. Las curvas ROC y ABC se calcularon basándose en el método de LocalCox en caso de que el marcador estuviera violando las suposiciones de riesgos, de otro modo se usó el método de Cox. Los análisis se realizaron usando los paquetes de supervivencia con R y risksetROC. Todas las características del ABC para todos los marcadores de combinación se

describen en la Tabla 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13 y 14. Las mejores combinaciones se describen en la Tabla 15.

5 **Grupo de matrices de correlación para los datos de qPCR de los 17 genes distintivos seleccionados finales agrupados en 77 pacientes (estadio I-III):** Un grupo de alta correlación con los genes con buen desenlace y un grupo de alta correlación con los genes de mal desenlace. Puede observarse correlación negativa entre los dos grupos que muestran una expresión inversa de los genes. Un patrón de alta correlación entre genes muestra una probable redundancia entre los genes, sugiriendo una posible sustitución de un gen por otro gen. Las siguientes tablas ilustran ejemplos de dichas sustituciones:

Tabla B	
4 Marcadores_Combinación de todos los miR	c_tau
GNLY + GZMH + PF4 + REN	0,7615
GNLY + ITGAE + PF4 + REN	0,7607

Tabla C	
4 Marcadores_Combinación de todos los miR	c_tau
CXCL13 + GNLY + PF4 + REN	0,7575
CXCL13 + GNLY + IL17A + REN	0,7539

Tabla D	
5 Marcadores_Combinación de todos los miR	c_tau
GNLY + IFNG + PF4 + IL17A + REN	0,7876
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,7759

Tabla E	
6 Marcadores_Combinación de todos los miR	c_tau
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + IHH + REN	0,7877
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,7876

Tabla F	
7 Marcadores_Combinación de todos los pacientes	c_tau
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,7988
IFNG + GNLY + CXCL9 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,7918

Tabla G	
8 Marcadores_Combinación de todos los pacientes	c_tau
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,79308
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + GZMH + PF4 + IL17A + REN	0,79290

Algunos de los genes son redundantes y pueden compartir funciones biológicas comunes que los hacen sustituibles entre sí. Esto es una ventaja en el caso de que algunos genes no se expresen o no sean medibles debido a motivos técnicos.

Tabla 1: grupos de 1 gen	
Grupos de 1 gen	nivel de c_tau
GNLY	0,68
LAG3	0,65
CXCL13	0,65
PF4	0,65
CXCL9	0,64
REN	0,64
ITGAE	0,63
CCL5	0,6
TSLP	0,59
IL17A	0,58
GZMH	0,54
PROM1	0,54
IHH	0,54
IFNG	0,52
UICC	0,52
VEGFA	0,5

Tabla 2: grupos de 2 genes	
Grupos de 2 genes	nivel de c_tau
GNLY + PF4	0,71
IFNG + GNLY	0,71
GNLY + REN	0,71
GNLY + IL17A	0,71
CXCL13 + PF4	0,7
GNLY + TSLP	0,7
PF4 + REN	0,7
GZMH + GNLY	0,69
CXCL13 + GNLY	0,69
CXCL9 + PF4	0,69
GNLY + CCL5	0,69
CXCL13 + IL17A	0,69
GNLY + LAG3	0,69
ITGAE + PF4	0,69
CXCL9 + REN	0,68
ITGAE + REN	0,68
GNLY + PROM1	0,68
LAG3 + PF4	0,68
GNLY + CXCL9	0,68
GNLY + VEGFA	0,68
GNLY + ITGAE	0,68
GNLY + IHH	0,68
LAG3 + REN	0,68
IFNG + CXCL9	0,67
CXCL13 + REN	0,67
LAG3 + IL17A	0,67
CCL5 + PF4	0,67
LAG3 + TSLP	0,67
CXCL9 + IL17A	0,67
CXCL9 + TSLP	0,67
PF4 + TSLP	0,67
CXCL13 + LAG3	0,67
CXCL13 + TSLP	0,66
PF4 + IL17A	0,66
GZMH + CXCL9	0,66
LAG3 + CXCL9	0,66
GZMH + PF4	0,66
ITGAE + IL17A	0,66

Tabla 2: grupos de 2 genes	
Grupos de 2 genes	nivel de c_tau
ITGAE + TSLP	0,66
CXCL13 + ITGAE	0,66
CXCL13 + CXCL9	0,66
LAG3 + ITGAE	0,66
LAG3 + PROM1	0,66
CCL5 + REN	0,66
IFNG + LAG3	0,66
IL17A + REN	0,65
LAG3 + IHH	0,65
IFNG + ITGAE	0,65
PF4 + PROM1	0,65
LAG3 + VEGFA	0,65
GZMH + LAG3	0,65
LAG3 + CCL5	0,65
IFNG + PF4	0,65
PF4 + IHH	0,65
TSLP + REN	0,65
CCL5 + CXCL9	0,65
CXCL13 + PROM1	0,65
REN + PROM1	0,65
CXCL13 + VEGFA	0,65
PF4 + VEGFA	0,65
ITGAE + CXCL9	0,65
CXCL13 + IHH	0,65
CXCL9 + VEGFA	0,64
GZMH + CXCL13	0,64
GZMH + ITGAE	0,64
CXCL9 + PROM1	0,64
GZMH + REN	0,64
CXCL9 + IHH	0,64
CXCL13 + CCL5	0,64
IFNG + CXCL13	0,64
ITGAE + VEGFA	0,64
ITGAE + PROM1	0,64
ITGAE + IHH	0,64
REN + VEGFA	0,64
IFNG + REN	0,64

Tabla 2: grupos de 2 genes	
Grupos de 2 genes	nivel de c_tau
REN + IHH	0,64
ITGAE + CCL5	0,64
CCL5 + TSLP	0,63
CCL5 + IL17A	0,63
IFNG + CCL5	0,62
GZMH + CCL5	0,61
IL17A + TSLP	0,61
GZMH + TSLP	0,61
CCL5 + PROM1	0,6
CCL5 + IHH	0,6
GZMH + IL17A	0,6
CCL5 + VEGFA	0,6
TSLP + PROM1	0,6
IFNG + TSLP	0,59
TSLP + VEGFA	0,59
TSLP + IHH	0,59
IFNG + IL17A	0,59
IL17A + IHH	0,59
IL17A + PROM1	0,59
IL17A + VEGFA	0,58
GZMH + PROM1	0,55
GZMH + IHH	0,55
IHH + PROM1	0,55
IFNG + PROM1	0,54
IFNG + IHH	0,54
GZMH + IFNG	0,54
GZMH + VEGFA	0,54
IHH + VEGFA	0,54
PROM 1 + VEGFA	0,54
IFNG + VEGFA	0,52

Tabla 3: grupos de 3 genes:	
grupos de 3 genes	nivel de c_tau
GNLY + PF4 + REN	0,75
GNLY + IL17A + REN	0,74
IFNG + GNLY + IL17A	0,74

Tabla 3: grupos de 3 genes:	
grupos de 3 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + REN	0,73
CXCL13 + GNLY + IL17A	0,73
IFNG + GNLY + TSLP	0,73
IFNG + GNLY + PF4	0,73
CXCL9 + PF4 + REN	0,73
GNLY + PF4 + IL17A	0,73
CXCL13 + PF4 + REN	0,73
LAG3 + PF4 + REN	0,72
CXCL13 + GNLY + PF4	0,72
GNLY + PF4 + TSLP	0,72
CXCL13 + PF4 + IL17A	0,72
ITGAE + PF4 + REN	0,72
IFNG + GNLY + ITGAE	0,72
GNLY + IL17A + TSLP	0,72
GNLY + PF4 + IHH	0,72
GZMH + GNLY + REN	0,72
GNLY + CCL5 + PF4	0,72
GNLY + PF4 + PROM1	0,72
GNLY + TSLP + REN	0,72
IFNG + GNLY + VEGFA	0,72
IFNG + GNLY + CXCL9	0,72
GZMH + GNLY + PF4	0,72
GZMH + GNLY + IL17A	0,72
GNLY + CCL5 + REN	0,72
GNLY + CXCL9 + PF4	0,71
GNLY + REN + PROM1	0,71
GNLY + PF4 + VEGFA	0,71
GNLY + CXCL9 + IL17A	0,71
GNLY + LAG3 + PF4	0,71
GNLY + ITGAE + PF4	0,71
GNLY + LAG3 + IL17A	0,71
IFNG + GNLY + PROM1	0,71
GNLY + CCL5 + IL17A	0,71
IFNG + GNLY + CCL5	0,71
GNLY + ITGAE + REN	0,71
GNLY + ITGAE + IL17A	0,71
GZMH + IFNG + GNLY	0,71

Tabla 3: grupos de 3 genes:	
grupos de 3 genes	nivel de c_tau
GNLY + IL17A + PROM1	0,71
GNLY + LAG3 + REN	0,71
IFNG + GNLY + IHH	0,71
IFNG + GNLY + LAG3	0,71
CXCL13 + PF4 + TSLP	0,71
CCL5 + PF4 + REN	0,71
GNLY + IL17A + VEGFA	0,71
CXCL13 + GNLY + REN	0,71
GNLY + CXCL9 + REN	0,71
GNLY + REN + VEGFA	0,71
GNLY + REN + IHH	0,71
GZMH + GNLY + TSLP	0,71
GNLY + IL17A + IHH	0,71
CXCL13 + GNLY + TSLP	0,71
CXCL13 + CXCL9 + PF4	0,71
GNLY + CCL5 + TSLP	0,71
CXCL13 + ITGAE + PF4	0,71
CXCL13 + PF4 + PROM1	0,71
GZMH + GNLY + CXCL9	0,71
CXCL13 + LAG3 + PF4	0,71
GZMH + CXCL13 + PF4	0,7
GZMH + PF4 + REN	0,7
IFNG + CXCL13 + GNLY	0,7
CXCL13 + PF4 + VEGFA	0,7
CXCL9 + PF4 + TSLP	0,7
CXCL13 + IL17A + REN	0,7
CXCL13 + PF4 + IHH	0,7
CXCL13 + CCL5 + PF4	0,7
GNLY + LAG3 + TSLP	0,7
GNLY + TSLP + PROM1	0,7
GNLY + CXCL9 + TSLP	0,7
GNLY + ITGAE + TSLP	0,7
GNLY + TSLP + VEGFA	0,7
PF4 + REN + PROM1	0,7
CXCL9 + PF4 + IL17A	0,7
IFNG + CXCL13 + PF4	0,7
GZMH + CXCL13 + GNLY	0,7

Tabla 3: grupos de 3 genes:	
grupos de 3 genes	nivel de c_tau
PF4 + TSLP + REN	0,7
GZMH + GNLY + ITGAE	0,7
PF4 + IL17A + REN	0,7
IFNG + CXCL9 + PF4	0,7
LAG3 + IL17A + REN	0,7
CXCL9 + IL17A + REN	0,7
GNLY + TSLP + IHH	0,7
GNLY + CCL5 + CXCL9	0,7
CXCL13 + GNLY + CCL5	0,7
IFNG + CXCL9 + REN	0,7
IFNG + PF4 + REN	0,7
ITGAE + IL17A + REN	0,7
GZMH + GNLY + PROM1	0,7
GNLY + LAG3 + CCL5	0,7
CXCL9 + PF4 + VEGFA	0,7
PF4 + REN + IHH	0,7
PF4 + REN + VEGFA	0,7
ITGAE + PF4 + TSLP	0,7
CXCL9 + PF4 + IHH	0,7
GZMH + GNLY + LAG3	0,7
CCL5 + CXCL9 + PF4	0,7
GZMH + CXCL9 + PF4	0,7
ITGAE + PF4 + IL17A	0,7
GZMH + GNLY + VEGFA	0,7
CXCL9 + PF4 + PROM1	0,69
GZMH + CXCL9 + REN	0,69
LAG3 + PF4 + TSLP	0,69
GZMH + GNLY + IHH	0,69
CXCL13 + GNLY + LAG3	0,69
CXCL13 + GNLY + PROM1	0,69
GZMH + GNLY + CCL5	0,69
ITGAE + CXCL9 + PF4	0,69
IFNG + CXCL9 + TSLP	0,69
CXCL13 + LAG3 + IL17A	0,69
CXCL13 + GNLY + VEGFA	0,69
GNLY + ITGAE + CCL5	0,69
CXCL13 + GNLY + CXCL9	0,69

Tabla 3: grupos de 3 genes:	
grupos de 3 genes	nivel de c_tau
LAG3 + PF4 + IL17A	0,69
LAG3 + CXCL9 + PF4	0,69
IFNG + ITGAE + REN	0,69
CXCL13 + GNLY + ITGAE	0,69
ITGAE + PF4 + IHH	0,69
CXCL13 + GNLY + IHH	0,69
GNLY + CCL5 + PROM1	0,69
CXCL9 + TSLP + REN	0,69
ITGAE + PF4 + VEGFA	0,69
LAG3 + REN + PROM1	0,69
CXCL13 + IL17A + TSLP	0,69
CXCL13 + CXCL9 + IL17A	0,69
LAG3 + PF4 + IHH	0,69
CXCL13 + ITGAE + IL17A	0,69
CCL5 + CXCL9 + REN	0,69
ITGAE + TSLP + REN	0,69
ITGAE + CXCL9 + REN	0,69
GNLY + LAG3 + PROM1	0,69
LAG3 + ITGAE + REN	0,69
GNLY + CCL5 + VEGFA	0,69
IFNG + LAG3 + REN	0,69
ITGAE + PF4 + PROM1	0,69
GNLY + CCL5 + IHH	0,69
CXCL9 + REN + PROM1	0,69
LAG3 + ITGAE + PF4	0,69
GZMH + ITGAE + REN	0,69
ITGAE + REN + VEGFA	0,69
IFNG + ITGAE + PF4	0,69
ITGAE + REN + PROM1	0,69
GNLY + LAG3 + CXCL9	0,69
CXCL13 + IL17A + VEGFA	0,69
CXCL9 + REN + VEGFA	0,69
CXCL13 + IL17A + PROM1	0,69
GNLY + LAG3 + IHH	0,69
GNLY + LAG3 + ITGAE	0,69
ITGAE + CCL5 + PF4	0,69
GNLY + LAG3 + VEGFA	0,69

Tabla 3: grupos de 3 genes:	
grupos de 3 genes	nivel de c_tau
GZMH + ITGAE + PF4	0,69
LAG3 + PF4 + PROM1	0,69
GZMH + CXCL13 + IL17A	0,69
CXCL13 + CCL5 + IL17A	0,69
LAG3 + PF4 + VEGFA	0,69
IFNG + CXCL9 + IL17A	0,69
LAG3 + CXCL9 + REN	0,69
IFNG + LAG3 + TSLP	0,68
ITGAE + CCL5 + REN	0,68
CXCL13 + ITGAE + REN	0,68
LAG3 + CCL5 + REN	0,68
CXCL13 + LAG3 + REN	0,68
IFNG + CXCL13 + IL17A	0,68
GZMH + LAG3 + REN	0,68
CCL5 + PF4 + TSLP	0,68
CXCL13 + IL17A + IHH	0,68
IFNG + LAG3 + PF4	0,68
LAG3 + TSLP + REN	0,68
GNLY + CXCL9 + PROM1	0,68
ITGAE + REN + IHH	0,68
GNLY + ITGAE + PROM1	0,68
CXCL13 + CXCL9 + REN	0,68
LAG3 + REN + VEGFA	0,68
GNLY + PROM1 + VEGFA	0,68
CXCL9 + REN + IHH	0,68
IFNG + ITGAE + CXCL9	0,68
GNLY + ITGAE + CXCL9	0,68
GNLY + CXCL9 + VEGFA	0,68
LAG3 + CCL5 + PF4	0,68
GNLY + ITGAE + VEGFA	0,68
GNLY + IHH + PROM1	0,68
GZMH + LAG3 + PF4	0,68
CXCL13 + LAG3 + TSLP	0,68
GNLY + CXCL9 + IHH	0,68
GNLY + ITGAE + IHH	0,68
GNLY + IHH + VEGFA	0,68
LAG3 + IL17A + TSLP	0,68

Tabla 3: grupos de 3 genes:	
grupos de 3 genes	nivel de c_tau
IFNG + LAG3 + CXCL9	0,68
CXCL13 + TSLP + REN	0,68
CCL5 + PF4 + IL17A	0,68
GZMH + CXCL9 + IL17A	0,68
LAG3 + CXCL9 + IL17A	0,68
GZMH + CXCL9 + TSLP	0,68
CXCL9 + IL17A + TSLP	0,68
LAG3 + CCL5 + CXCL9	0,68
LAG3 + REN + IHH	0,68
LAG3 + IL17A + VEGFA	0,68
LAG3 + ITGAE + IL17A	0,68
GZMH + PF4 + IL17A	0,68
CXCL13 + REN + PROM1	0,68
GZMH + PF4 + TSLP	0,68
IFNG + ITGAE + TSLP	0,68
CXCL13 + CXCL9 + TSLP	0,68
GZMH + IFNG + CXCL9	0,68
LAG3 + CXCL9 + TSLP	0,68
CXCL13 + ITGAE + TSLP	0,68
IFNG + CXCL9 + PROM1	0,68
IFNG + LAG3 + IL17A	0,68
CCL5 + IL17A + REN	0,67
CCL5 + CXCL9 + IL17A	0,67
PF4 + IL17A + TSLP	0,67
IFNG + CXCL9 + IHH	0,67
IFNG + CCL5 + CXCL9	0,67
IFNG + CXCL9 + VEGFA	0,67
IFNG + LAG3 + ITGAE	0,67
CCL5 + PF4 + IHH	0,67
LAG3 + TSLP + VEGFA	0,67
LAG3 + IL17A + PROM1	0,67
CXCL9 + IL17A + VEGFA	0,67
ITGAE + CXCL9 + IL17A	0,67
LAG3 + TSLP + PROM1	0,67
LAG3 + ITGAE + TSLP	0,67
GZMH + LAG3 + CXCL9	0,67
LAG3 + CCL5 + TSLP	0,67

Tabla 3: grupos de 3 genes:	
grupos de 3 genes	nivel de c_tau
CCL5 + PF4 + VEGFA	0,67
IFNG + CCL5 + PF4	0,67
CXCL13 + REN + VEGFA	0,67
GZMH + ITGAE + CXCL9	0,67
GZMH + LAG3 + IL17A	0,67
LAG3 + CCL5 + IL17A	0,67
CCL5 + PP4 + PROM1	0,67
GZMH + CXCL13 + REN	0,67
LAG3 + IL17A + IHH	0,67
CCL5 + CXCL9 + TSLP	0,67
CXCL9 + TSLP + VEGFA	0,67
GZMH + LAG3 + TSLP	0,67
ITGAE + CXCL9 + TSLP	0,67
ITGAE + IL17A + TSLP	0,67
GZMH + CCL5 + PF4	0,67
CXCL13 + CCL5 + REN	0,67
CXCL13 + LAG3 + PROM1	0,67
PF4 + TSLP + PROM1	0,67
IFNG + PF4 + IL17A	0,67
IFNG + ITGAE + IL17A	0,67
CXCL13 + LAG3 + ITGAE	0,67
IFNG + CXCL13 + REN	0,67
CXCL9 + IL17A + PROM1	0,67
CXCL9 + TSLP + PROM1	0,67
CXCL13 + LAG3 + CXCL9	0,67
CXCL13 + LAG3 + CCL5	0,67
IFNG + CXCL13 + LAG3	0,67
LAG3 + TSLP + IHH	0,67
CXCL9 + IL17A + IHH	0,67
IFNG + PF4 + TSLP	0,67
ITGAE + IL17A + VEGFA	0,67
IFNG + CXCL13 + CXCL9	0,67
CXCL9 + TSLP + IHH	0,67
PF4 + TSLP + VEGFA	0,67
GZMH + CXCL13 + CXCL9	0,67
GZMH + CXCL13 + LAG3	0,67
CXCL13 + LAG3 + VEGFA	0,67

Tabla 3: grupos de 3 genes:	
grupos de 3 genes	nivel de c_tau
PF4 + TSLP + IHH	0,67
CXCL13 + REN + IHH	0,67
CXCL13 + LAG3 + IHH	0,67
GZMH + LAG3 + ITGAE	0,67
IFNG + LAG3 + PROM1	0,67
PF4 + IL17A + PROM1	0,67
IFNG + CCL5 + REN	0,67
LAG3 + ITGAE + CCL5	0,67
GZMH + CXCL9 + VEGFA	0,67
ITGAE + TSLP + VEGFA	0,67
IFNG + CXCL13 + ITGAE	0,67
CXCL13 + TSLP + PROM1	0,67
LAG3 + CXCL9 + PROM1	0,67
GZMH + CXCL9 + PROM1	0,67
GZMH + PF4 + VEGFA	0,67
PF4 + IL17A + IHH	0,67
GZMH + ITGAE + IL17A	0,66
GZMH + PF4 + PROM1	0,66
CCL5 + TSLP + REN	0,66
CCL5 + REN + PROM1	0,66
LAG3 + CXCL9 + VEGFA	0,66
IFNG + CXCL13 + TSLP	0,66
CXCL13 + TSLP + VEGFA	0,66
GZMH + CXCL9 + IHH	0,66
PF4 + IL17A + VEGFA	0,66
LAG3 + ITGAE + VEGFA	0,66
GZMH + CXCL13 + ITGAE	0,66
ITGAE + CCL5 + IL17A	0,66
LAG3 + ITGAE + PROM1	0,66
LAG3 + CXCL9 + IHH	0,66
GZMH + CXCL13 + TSLP	0,66
GZMH + PF4 + IHH	0,66
CXCL13 + TSLP + IHH	0,66
GZMH + CCL5 + CXCL9	0,66
LAG3 + ITGAE + CXCL9	0,66
IFNG + LAG3 + IHH	0,66
LAG3 + ITGAE + IHH	0,66

Tabla 3: grupos de 3 genes:	
grupos de 3 genes	nivel de c_tau
CXCL13 + CCL5 + TSLP	0,66
GZMH + ITGAE + TSLP	0,66
GZMH + IFNG + PF4	0,66
GZMH + CCL5 + REN	0,66
CXCL13 + CCL5 + CXCL9	0,66
GZMH + IL17A + REN	0,66
LAG3 + CCL5 + PROM1	0,66
CXCL13 + ITGAE + CXCL9	0,66
ITGAE + IL17A + IHH	0,66
ITGAE + IL17A + PROM1	0,66
ITGAE + CCL5 + TSLP	0,66
IL17A + TSLP + REN	0,66
ITGAE + TSLP + PROM1	0,66
CXCL13 + CXCL9 + PROM1	0,66
ITGAE + CCL5 + CXCL9	0,66
GZMH + LAG3 + PROM1	0,66
CXCL13 + ITGAE + CCL5	0,66
LAG3 + PROM1 + VEGFA	0,66
ITGAE + TSLP + IHH	0,66
LAG3 + IHH + PROM1	0,66
CXCL13 + ITGAE + PROM1	0,66
CXCL13 + CXCL9 + VEGFA	0,66
IFNG + LAG3 + VEGFA	0,66
CXCL13 + ITGAE + VEGFA	0,66
CCL5 + REN + VEGFA	0,66
CXCL13 + CXCL9 + IHH	0,66
IL17A + REN + PROM1	0,66
CXCL13 + ITGAE + IHH	0,66
GZMH + IFNG + LAG3	0,66
IFNG + ITGAE + IHH	0,66
IFNG + LAG3 + CCL5	0,66
IFNG + IL17A + REN	0,66
IFNG + ITGAE + PROM1	0,66
TSLP + REN + PROM1	0,66
IFNG + PF4 + PROM1	0,66
CCL5 + REN + IHH	0,66
GZMH + LAG3 + IHH	0,66

Tabla 3: grupos de 3 genes:	
grupos de 3 genes	nivel de c_tau
IFNG + ITGAE + VEGFA	0,66
LAG3 + CCL5 + IHH	0,66
PF4 + IHH + PROM1	0,66
LAG3 + IHH + VEGFA	0,65
IL17A + REN + VEGFA	0,65
IL17A + REN + IHH	0,65
GZMH + IFNG + ITGAE	0,65
IFNG + ITGAE + CCL5	0,65
LAG3 + CCL5 + VEGFA	0,65
CCL5 + CXCL9 + VEGFA	0,65
GZMH + TSLP + REN	0,65
PF4 + PROM1 + VEGFA	0,65
GZMH + REN + PROM1	0,65
GZMH + LAG3 + VEGFA	0,65
IFNG + PF4 + IHH	0,65
IFNG + PF4 + VEGFA	0,65
GZMH + LAG3 + CCL5	0,65
IFNG + CCL5 + TSLP	0,65
CCL5 + CXCL9 + PROM1	0,65
TSLP + REN + IHH	0,65
PF4 + IHH + VEGFA	0,65
TSLP + REN + VEGFA	0,65
ITGAE + CXCL9 + VEGFA	0,65
IFNG + TSLP + REN	0,65
GZMH + ITGAE + IHH	0,65
CCL5 + CXCL9 + IHH	0,65
CXCL13 + PROM1 + VEGFA	0,65
GZMH + ITGAE + VEGFA	0,65
IFNG + REN + PROM1	0,65
GZMH + ITGAE + PROM1	0,65
REN + PROM1 + VEGFA	0,65
REN + IHH + PROM1	0,65
CXCL13 + IHH + PROM1	0,65
ITGAE + CXCL9 + PROM1	0,65
ITGAE + CXCL9 + IHH	0,65
CXCL9 + PROM1 + VEGFA	0,65
GZMH + CXCL13 + PROM1	0,65

Tabla 3: grupos de 3 genes:	
grupos de 3 genes	nivel de c_tau
GZMH + ITGAE + CCL5	0,65
CXCL13 + IHH + VEGFA	0,65
CXCL9 + IHH + VEGFA	0,64
GZMH + IFNG + REN	0,64
GZMH + CXCL13 + VEGFA	0,64
IFNG + CXCL13 + CCL5	0,64
CCL5 + IL17A + TSLP	0,64
GZMH + CXCL13 + IHH	0,64
CXCL13 + CCL5 + PROM1	0,64
CXCL9 + IHH + PROM1	0,64
GZMH + REN + VEGFA	0,64
IFNG + CXCL13 + PROM1	0,64
IFNG + CXCL13 + VEGFA	0,64
GZMH + CXCL13 + CCL5	0,64
CXCL13 + CCL5 + VEGFA	0,64
GZMH + IFNG + CXCL13	0,64
GZMH + REN + IHH	0,64
CXCL13 + CCL5 + IHH	0,64
IFNG + CXCL13 + IHH	0,64
ITGAE + PROM1 + VEGFA	0,64
ITGAE + CCL5 + IHH	0,64
ITGAE + CCL5 + PROM1	0,64
ITGAE + IHH + VEGFA	0,64
ITGAE + CCL5 + VEGFA	0,64
ITGAE + IHH + PROM1	0,64
GZMH + CCL5 + TSLP	0,64
IFNG + REN + VEGFA	0,64
REN + IHH + VEGFA	0,64
IFNG + REN + IHH	0,64
CCL5 + TSLP + PROM1	0,64
CCL5 + TSLP + VEGFA	0,64
CCL5 + TSLP + IHH	0,63
GZMH + CCLS + IL17A	0,63
IFNG + CCL5 + IL17A	0,63
CCL5 + IL17A + VEGFA	0,63
CCL5 + IL17A + PROM1	0,63
CCL5 + IL17A + IHH	0,63

Tabla 3: grupos de 3 genes:	
grupos de 3 genes	nivel de c_tau
GZMH + IL17A + TSLP	0,62
GZMH + IFNG + CCL5	0,62
IFNG + CCL5 + PROM1	0,62
IFNG + CCL5 + IHH	0,62
GZMH + CCL5 + PROM1	0,62
IFNG + CCL5 + VEGFA	0,62
GZMH + CCL5 + IHH	0,61
IFNG + IL17A + TSLP	0,61
GZMH + CCL5 + VEGFA	0,61
IL17A + TSLP + PROM1	0,61
GZMH + IFNG + TSLP	0,61
GZMH + TSLP + PROM1	0,61
IL17A + TSLP + VEGFA	0,61
IL17A + TSLP + IHH	0,61
GZMH + TSLP + VEGFA	0,61
GZMH + TSLP + IHH	0,61
CCL5 + IHH + PROM1	0,6
CCL5 + PROM1 + VEGFA	0,6
GZMH + IL17A + PROM1	0,6
CCL5 + IHH + VEGFA	0,6
GZMH + IL17A + IHH	0,6
GZMH + IL17A + VEGFA	0,6
GZMH + IFNG + IL17A	0,6
IFNG + TSLP + PROM1	0,6
TSLP + PROM1 + VEGFA	0,6
TSLP + IHH + PROM1	0,6
IFNG + IL17A + PROM1	0,6
IFNG + IL17A + IHH	0,6
IFNG + TSLP + VEGFA	0,59
IFNG + IL17A + VEGFA	0,59
IFNG + TSLP + IHH	0,59
TSLP + IHH + VEGFA	0,59
IL17A + IHH + PROM1	0,59
IL17A + PROM1 + VEGFA	0,59
IL17A + IHH + VEGFA	0,59
GZMH + IHH + PROM1	0,56
GZMH + PROM1 + VEGFA	0,55

Tabla 3: grupos de 3 genes:	
grupos de 3 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + PROM1	0,55
IFNG + IHH + PROM1	0,55
GZMH + IFNG + IHH	0,55
GZMH + IHH + VEGFA	0,55
IHH + PROM1 + VEGFA	0,55
IFNG + PROM1 + VEGFA	0,54
IFNG + IHH + VEGFA	0,54
GZMH + IFNG + VEGFA	0,54

Tabla 4: grupos de 4 genes:	
grupos de 4 genes	nivel de c_tau
GNLY + PF4 + IL17A + REN	0,77
IFNG + GNLY + PF4 + REN	0,76
IFNG + GNLY + IL17A + REN	0,76
GNLY + PF4 + REN + PROM1	0,76
GNLY + CCL5 + PF4 + REN	0,76
GNLY + PF4 + TSLP + REN	0,76
GZMH + GNLY + PF4 + REN	0,76
GNLY + ITGAE + PF4 + REN	0,76
GNLY + CXCL9 + PF4 + REN	0,75
GNLY + PF4 + REN + VEGFA	0,75
GNLY + PF4 + REN + IHH	0,75
GNLY + LAG3 + PF4 + REN	0,75
CXCL13 + GNLY + PF4 + REN	0,75
CXCL13 + GNLY + IL17A + REN	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A	0,75
GNLY + IL17A + REN + IHH	0,75
CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A	0,75
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A	0,74
IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A	0,74
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A	0,74
IFNG + GNLY + IL17A + TSLP	0,74
GNLY + CXCL9 + IL17A + REN	0,74
GNLY + ITGAE + IL17A + REN	0,74
GNLY + IL17A + TSLP + REN	0,74
GZMH + GNLY + IL17A + REN	0,74

Tabla 4: grupos de 4 genes:	
grupos de 4 genes	nivel de c_tau
GNLY + LAG3 + IL17A + REN	0,74
GNLY + IL17A + REN + PROM 1	0,74
IFNG + GNLY + PF4 + TSLP	0,74
IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A	0,74
IFNG + GNLY + CCL5 + IL17A	0,74
IFNG + GNLY + TSLP + REN	0,74
GNLY + CCL5 + IL17A + REN	0,74
GNLY + IL17A + REN + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + GNLY + IL17A	0,74
IFNG + GNLY + IL17A + VEGFA	0,74
IFNG + GNLY + IL17A + PROM1	0,74
IFNG + GNLY + ITGAE + REN	0,74
IFNG + GNLY + IL17A + IHH	0,74
CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A	0,74
GZMH + CXCL13 + GNLY + IL17A	0,74
CXCL13 + PF4 + IL17A + REN	0,74
IFNG + GNLY + REN + PROM1	0,74
IFNG + GNLY + PF4 + IHH	0,74
IFNG + GNLY + REN + VEGFA	0,74
IFNG + GNLY + ITGAE + TSLP	0,73
IFNG + GNLY + CXCL9 + REN	0,73
IFNG + GNLY + CCL5 + REN	0,73
CXCL13 + GNLY + IL17A + TSLP	0,73
IFNG + GNLY + LAG3 + REN	0,73
GZMH + IFNG + GNLY + REN	0,73
CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A	0,73
CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,73
IFNG + GNLY + CXCL9 + TSLP	0,73
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A	0,73
CXCL9 + PF4 + REN + VEGFA	0,73
IFNG + GNLY + PF4 + PROM1	0,73
CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A	0,73
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4	0,73
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A	0,73
IFNG + GNLY + TSLP + VEGFA	0,73
IFNG + GNLY + REN + IHH	0,73
CXCL13 + GNLY + IL17A + PROM1	0,73

Tabla 4: grupos de 4 genes:	
grupos de 4 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4	0,73
IFNG + GNLY + LAG3 + TSLP	0,73
CXCL13 + GNLY + IL17A + VEGFA	0,73
GZMH + CXCL9 + PF4 + REN	0,73
GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A	0,73
CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,73
IFNG + GNLY + TSLP + PROM1	0,73
IFNG + GNLY + PF4 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + GNLY + TSLP	0,73
CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,73
CXCL13 + GNLY + PF4 + TSLP	0,73
CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN	0,73
IFNG + CXCL9 + PF4 + REN	0,73
GZMH + IFNG + GNLY + PF4	0,73
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4	0,73
ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN	0,73
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4	0,73
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4	0,73
IFNG + GNLY + CCL5 + TSLP	0,73
LAG3 + PF4 + IL17A + REN	0,73
CXCL13 + CXCL9 + PF4 + REN	0,73
GZMH + GNLY + PF4 + IL17A	0,73
GNLY + PF4 + IL17A + TSLP	0,73
CXCL9 + PF4 + REN + IHH	0,73
GNLY + PF4 + IL17A + IHH	0,73
LAG3 + CXCL9 + PF4 + REN	0,73
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5	0,73
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4	0,73
CXCL13 + LAG3 + PF4 + REN	0,73
CXCL13 + ITGAE + PF4 + REN	0,73
LAG3 + PF4 + REN + PROM1	0,73
IFNG + GNLY + TSLP + IHH	0,73
LAG3 + PF4 + REN + VEGFA	0,73
CXCL13 + GNLY + IL17A + IHH	0,73
GNLY + PF4 + IL17A + VEGFA	0,73
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4	0,73
GZMH + GNLY + CXCL9 + IL17A	0,73

Tabla 4: grupos de 4 genes:	
grupos de 4 genes	nivel de c_tau
GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A	0,73
ITGAE + PF4 + REN + VEGFA	0,73
GNLY + PF4 + IL17A + PROM1	0,73
CXCL13 + PF4 + REN + PROM1	0,73
GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP	0,73
CXCL13 + PF4 + TSLP + REN	0,73
GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A	0,73
ITGAE + PF4 + IL17A + REN	0,73
GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,73
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4	0,73
GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A	0,73
CXCL13 + PF4 + IL17A + TSLP	0,73
GZMH + CXCL13 + PF4 + REN	0,73
GZMH + GNLY + PF4 + TSLP	0,73
CXCL13 + CCL5 + PF4 + IL17A	0,73
LAG3 + ITGAE + PF4 + REN	0,73
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4	0,73
GZMH + GNLY + CXCL9 + REN	0,73
CXCL13 + GNLY + PF4 + PROM1	0,73
GNLY + ITGAE + CCL5 + REN	0,72
GNLY + CCL5 + CXCL9 + REN	0,72
GZMH + GNLY + ITGAE + REN	0,72
CXCL13 + GNLY + PF4 + IHH	0,72
GNLY + PF4 + TSLP + PROM1	0,72
ITGAE + PF4 + REN + PROM1	0,72
CXCL13 + PF4 + REN + VEGFA	0,72
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9	0,72
CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4	0,72
GZMH + LAG3 + PF4 + REN	0,72
ITGAE + PF4 + TSLP + REN	0,72
IFNG + CXCL13 + GNLY + REN	0,72
LAG3 + PF4 + TSLP + REN	0,72
LAG3 + CCL5 + PF4 + REN	0,72
GZMH + GNLY + TSLP + REN	0,72
IFNG + LAG3 + PF4 + REN	0,72
CXCL13 + PF4 + REN + IHH	0,72
GNLY + PF4 + TSLP + IHH	0,72

Tabla 4: grupos de 4 genes:	
grupos de 4 genes	nivel de c_tau
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4	0,72
LAG3 + PF4 + REN + IHH	0,72
CXCL13 + GNLY + PF4 + VEGFA	0,72
GNLY + LAG3 + CCL5 + REN	0,72
GNLY + CXCL9 + PF4 + TSLP	0,72
CXCL13 + PF4 + IL17A + VEGFA	0,72
CXCL13 + CCL5 + PF4 + REN	0,72
GZMH + CXCL13 + PF4 + IL17A	0,72
GZMH + GNLY + REN + PROM1	0,72
GNLY + PF4 + TSLP + VEGFA	0,72
CXCL13 + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,72
GNLY + CCL5 + PF4 + PROM1	0,72
ITGAE + PF4 + REN + IHH	0,72
IFNG + GNLY + ITGAE + IHH	0,72
IFNG + CXCL13 + GNLY + TSLP	0,72
GNLY + ITGAE + PF4 + TSLP	0,72
GNLY + CCL5 + TSLP + REN	0,72
IFNG + CXCL13 + PF4 + REN	0,72
GZMH + ITGAE + PF4 + REN	0,72
CXCL13 + ITGAE + PF4 + IL17A	0,72
GNLY + CCL5 + REN + PROM1	0,72
CXCL13 + LAG3 + PF4 + IL17A	0,72
GNLY + LAG3 + PF4 + TSLP	0,72
GZMH + GNLY + IL17A + TSLP	0,72
CXCL13 + PF4 + IL17A + PROM1	0,72
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE	0,72
GZMH + GNLY + ITGAE + IL17A	0,72
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9	0,72
GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A	0,72
GNLY + CXCL9 + IL17A + TSLP	0,72
GZMH + GNLY + LAG3 + REN	0,72
GNLY + CCL5 + PF4 + IHH	0,72
IFNG + GNLY + ITGAE + VEGFA	0,72
CXCL13 + PF4 + IL17A + IHH	0,72
IFNG + CXCL13 + PF4 + IL17A	0,72
IFNG + ITGAE + PF4 + REN	0,72
GNLY + TSLP + REN + PROM1	0,72

Tabla 4: grupos de 4 genes:	
grupos de 4 genes	nivel de c_tau
GNLY + CCL5 + IL17A + TSLP	0,72
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4	0,72
ITGAE + CCL5 + PF4 + REN	0,72
GZMH + GNLY + PF4 + IHH	0,72
GNLY + PF4 + IHH + PROM1	0,72
IFNG + GNLY + ITGAE + PROM1	0,72
GZMH + GNLY + PF4 + PROM1	0,72
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE	0,72
IFNG + GNLY + CXCL9 + VEGFA	0,72
GNLY + ITGAE + TSLP + REN	0,72
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4	0,72
GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP	0,72
GNLY + CXCL9 + PF4 + IHH	0,72
GNLY + ITGAE + PF4 + IHH	0,72
GNLY + LAG3 + IL17A + TSLP	0,72
GNLY + TSLP + REN + IHH	0,72
GNLY + LAG3 + PF4 + IHH	0,72
GZMH + GNLY + REN + VEGFA	0,72
GNLY + IL17A + TSLP + PROM1	0,72
GZMH + GNLY + LAG3 + IL17A	0,72
GNLY + PF4 + IHH + VEGFA	0,72
CXCL13 + GNLY + TSLP + REN	0,72
GNLY + CXCL9 + TSLP + REN	0,72
GNLY + IL17A + TSLP + VEGFA	0,72
IFNG + GNLY + PROM1 + VEGFA	0,72
GZMH + GNLY + CXCL9 + TSLP	0,72
GZMH + GNLY + CCL5 + REN	0,72
GNLY + CCL5 + PF4 + VEGFA	0,72
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4	0,72
IFNG + GNLY + CXCL9 + PROM1	0,72
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4	0,72
GNLY + CXCL9 + PF4 + PROM1	0,72
GZMH + GNLY + IL17A + PROM1	0,72
GNLY + LAG3 + REN + PROM1	0,72
GNLY + PF4 + PROM1 + VEGFA	0,72
IFNG + GNLY + IHH + VEGFA	0,72
GZMH + GNLY + REN + IHH	0,72

Tabla 4: grupos de 4 genes:	
grupos de 4 genes	nivel de c_tau
GNLY + CCL5 + CXCL9 + TSLP	0,72
GZMH + CXCL13 + GNLY + REN	0,72
GNLY + LAG3 + PF4 + PROM1	0,72
GNLY + TSLP + REN + VEGFA	0,72
IFNG + GNLY + CCL5 + VEGFA	0,72
IFNG + GNLY + CXCL9 + IHH	0,72
GZMH + IFNG + GNLY + VEGFA	0,72
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4	0,72
GNLY + IL17A + TSLP + IHH	0,72
GNLY + ITGAE + PF4 + PROM1	0,72
GNLY + REN + IHH + PROM1	0,72
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9	0,72
CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,72
GNLY + LAG3 + TSLP + REN	0,72
GNLY + ITGAE + CCL5 + TSLP	0,72
IFNG + GNLY + LAG3 + VEGFA	0,72
GNLY + CXCL9 + IL17A + VEGFA	0,72
GZMH + GNLY + PF4 + VEGFA	0,72
GZMH + GNLY + IL17A + VEGFA	0,72
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9	0,72
GZMH + GNLY + LAG3 + PF4	0,72
GNLY + LAG3 + CCL5 + TSLP	0,72
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5	0,72
IFNG + CXCL9 + PF4 + TSLP	0,72
GZMH + GNLY + IL17A + IHH	0,72
GNLY + CCL5 + REN + VEGFA	0,72
GNLY + CCL5 + REN + IHH	0,71
CXCL13 + GNLY + CCL5 + REN	0,71
GNLY + CXCL9 + PF4 + VEGFA	0,71
CXCL13 + GNLY + REN + PROM1	0,71
GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4	0,71
CCL5 + PF4 + REN + PROM1	0,71
GNLY + ITGAE + REN + PROM1	0,71
GNLY + CCL5 + IL17A + PROM1	0,71
IFNG + GNLY + CCL5 + PROM1	0,71
GZMH + GNLY + ITGAE + TSLP	0,71
GZMH + GNLY + CCL5 + IL17A	0,71

Tabla 4: grupos de 4 genes:	
grupos de 4 genes	nivel de c_tau
GNLY + CXCL9 + REN + PROM1	0,71
GNLY + REN + PROM1 + VEGFA	0,71
GNLY + LAG3 + IL17A + PROM1	0,71
GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4	0,71
GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4	0,71
CXCL13 + CXCL9 + PF4 + TSLP	0,71
GNLY + ITGAE + PF4 + VEGFA	0,71
GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A	0,71
GNLY + LAG3 + PF4 + VEGFA	0,71
GNLY + CXCL9 + IL17A + PROM1	0,71
CXCL13 + GNLY + CCL5 + TSLP	0,71
GNLY + ITGAE + IL17A + VEGFA	0,71
GNLY + LAG3 + IL17A + VEGFA	0,71
GNLY + LAG3 + CXCL9 + IL17A	0,71
GNLY + ITGAE + IL17A + PROM1	0,71
CXCL13 + PF4 + TSLP + PROM1	0,71
CCL5 + PF4 + TSLP + REN	0,71
IFNG + GNLY + LAG3 + PROM1	0,71
GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A	0,71
CCL5 + PF4 + REN + VEGFA	0,71
CXCL13 + LAG3 + PF4 + TSLP	0,71
GNLY + ITGAE + REN + VEGFA	0,71
IFNG + GNLY + LAG3 + IHH	0,71
CXCL13 + ITGAE + PF4 + TSLP	0,71
GZMH + CXCL13 + GNLY + TSLP	0,71
GNLY + CCL5 + IL17A + VEGFA	0,71
GNLY + LAG3 + ITGAE + REN	0,71
GNLY + IL17A + PROM1 + VEGFA	0,71
GZMH + IFNG + GNLY + PROM1	0,71
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5	0,71
IFNG + GNLY + CCL5 + IHH	0,71
IFNG + CXCL13 + GNLY + VEGFA	0,71
CCL5 + PF4 + REN + IHH	0,71
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE	0,71
GNLY + CCL5 + IL17A + IHH	0,71
GNLY + ITGAE + CXCL9 + REN	0,71
GNLY + CXCL9 + IL17A + IHH	0,71

Tabla 4: grupos de 4 genes:	
grupos de 4 genes	nivel de c_tau
GNLY + LAG3 + CXCL9 + REN	0,71
GNLY + LAG3 + REN + VEGFA	0,71
GZMH + CXCL13 + PF4 + TSLP	0,71
GZMH + IFNG + GNLY + IHH	0,71
IFNG + CCL5 + PF4 + REN	0,71
CXCL13 + GNLY + LAG3 + REN	0,71
CXCL13 + PF4 + TSLP + VEGFA	0,71
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3	0,71
GNLY + ITGAE + REN + IHH	0,71
GNLY + CXCL9 + REN + VEGFA	0,71
IFNG + GNLY + IHH + PROM1	0,71
GZMH + CCL5 + PF4 + REN	0,71
GNLY + LAG3 + IL17A + IHH	0,71
CXCL13 + GNLY + ITGAE + REN	0,71
CXCL13 + GNLY + REN + VEGFA	0,71
CXCL13 + CCL5 + PF4 + TSLP	0,71
GZMH + GNLY + LAG3 + TSLP	0,71
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + REN	0,71
GNLY + IL17A + IHH + PROM1	0,71
GNLY + LAG3 + REN + IHH	0,71
GNLY + CXCL9 + REN + IHH	0,71
IFNG + CXCL13 + PF4 + TSLP	0,71
GZMH + GNLY + TSLP + PROM1	0,71
GNLY + REN + IHH + VEGFA	0,71
GZMH + GNLY + TSLP + VEGFA	0,71
GNLY + IL17A + IHH + VEGFA	0,71
GNLY + ITGAE + IL17A + IHH	0,71
GZMH + PF4 + IL17A + REN	0,71
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9	0,71
CXCL13 + LAG3 + IL17A + REN	0,71
GZMH + GNLY + CXCL9 + PROM1	0,71
GZMH + GNLY + CCL5 + TSLP	0,71
CXCL13 + GNLY + TSLP + PROM1	0,71
CXCL13 + PF4 + TSLP + IHH	0,71
CXCL13 + CCL5 + CXCL9 + PF4	0,71
GNLY + CCL5 + TSLP + PROM1	0,71
GZMH + CXCL9 + IL17A + REN	0,71

Tabla 4: grupos de 4 genes:	
grupos de 4 genes	nivel de c_tau
IFNG + CXCL9 + IL17A + REN	0,71
GZMH + PF4 + REN + PROM1	0,71
CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP	0,71
CXCL13 + GNLY + LAG3 + TSLP	0,71
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9	0,71
CXCL13 + GNLY + REN + IHH	0,71
GZMH + CXCL9 + PF4 + TSLP	0,71
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + TSLP	0,71
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9	0,71
GZMH + GNLY + TSLP + IHH	0,71
CXCL13 + GNLY + TSLP + VEGFA	0,71
CXCL13 + GNLY + ITGAE + TSLP	0,71
IFNG + CXCL9 + TSLP + REN	0,71
CXCL13 + CXCL9 + PF4 + PROM1	0,71
CXCL9 + PF4 + IL17A + VEGFA	0,71
GZMH + GNLY + ITGAE + CXCL9	0,71
IFNG + ITGAE + CXCL9 + REN	0,71
CXCL9 + PF4 + TSLP + VEGFA	0,71
CXCL13 + ITGAE + PF4 + PROM1	0,71
LAG3 + IL17A + REN + VEGFA	0,71
GNLY + LAG3 + CCL5 + PROM1	0,71
GZMH + CXCL13 + CXCL9 + PF4	0,71
CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP	0,71
GZMH + PF4 + REN + VEGFA	0,71
CXCL13 + CXCL9 + IL17A + REN	0,71
IFNG + CXCL13 + GNLY + PROM1	0,71
CXCL13 + CXCL9 + PF4 + VEGFA	0,71
GZMH + GNLY + CXCL9 + IHH	0,71
GZMH + CXCL13 + ITGAE + PF4	0,71
CXCL13 + ITGAE + IL17A + REN	0,71
GNLY + CCL5 + TSLP + VEGFA	0,71
CXCL13 + ITGAE + CCL5 + PF4	0,71
LAG3 + CCL5 + IL17A + REN	0,71
GNLY + CCL5 + TSLP + IHH	0,71
CXCL13 + LAG3 + PF4 + PROM1	0,71
IFNG + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,71
CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,71

Tabla 4: grupos de 4 genes:	
grupos de 4 genes	nivel de c_tau
CXCL13 + ITGAE + PF4 + VEGFA	0,71
GZMH + PF4 + TSLP + REN	0,71
IFNG + PF4 + IL17A + REN	0,71
GZMH + GNLY + CXCL9 + VEGFA	0,71
CXCL13 + LAG3 + ITGAE + PF4	0,71
CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,71
CXCL13 + ITGAE + PF4 + IHH	0,71
GZMH + CXCL13 + PF4 + PROM1	0,71
CXCL13 + CXCL9 + PF4 + IHH	0,71
GZMH + PF4 + REN + IHH	0,71
CXCL13 + ITGAE + CXCL9 + PF4	0,71
CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,71
CXCL13 + LAG3 + CXCL9 + PF4	0,71
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5	0,71
CXCL13 + PF4 + PROM1 + VEGFA	0,71
CXCL13 + LAG3 + PF4 + IHH	0,71
IFNG + CXCL13 + CXCL9 + PF4	0,71
GZMH + CXCL13 + GNLY + PROM1	0,71
ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN	0,71
CXCL13 + LAG3 + PF4 + VEGFA	0,71
GZMH + CXCL13 + LAG3 + PF4	0,71
PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,71
ITGAE + IL17A + REN + VEGFA	0,71
GZMH + GNLY + LAG3 + CXCL9	0,71
IFNG + CXCL9 + PF4 + IHH	0,71
IFNG + LAG3 + IL17A + REN	0,71
GZMH + CXCL13 + GNLY + VEGFA	0,71
CXCL13 + GNLY + TSLP + IHH	0,71
LAG3 + CXCL9 + IL17A + REN	0,7
CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,7
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE	0,7
LAG3 + ITGAE + IL17A + REN	0,7
CXCL9 + PF4 + TSLP + PROM1	0,7
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5	0,7
GZMH + IFNG + PF4 + REN	0,7
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PROM1	0,7
PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,7

Tabla 4: grupos de 4 genes:	
grupos de 4 genes	nivel de c_tau
CXCL13 + PF4 + IHH + PROM1	0,7
GZMH + LAG3 + IL17A + REN	0,7
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3	0,7
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5	0,7
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PROM1	0,7
GZMH + GNLY + ITGAE + IHH	0,7
IFNG + CXCL9 + PF4 + VEGFA	0,7
GNLY + LAG3 + TSLP + PROM1	0,7
GZMH + CXCL13 + PF4 + VEGFA	0,7
CXCL13 + IL17A + TSLP + REN	0,7
GZMH + CXCL13 + GNLY + CXCL9	0,7
GZMH + GNLY + ITGAE + PROM1	0,7
LAG3 + IL17A + REN + PROM1	0,7
CXCL13 + CCL5 + PF4 + PROM1	0,7
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY	0,7
PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,7
GZMH + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,7
CXCL13 + IL17A + REN + IHH	0,7
ITGAE + CXCL9 + PF4 + TSLP	0,7
CXCL13 + IL17A + REN + VEGFA	0,7
IFNG + PF4 + REN + PROM1	0,7
CXCL9 + PF4 + IL17A + IHH	0,7
GZMH + CXCL13 + CCL5 + PF4	0,7
CXCL13 + LAG3 + CCL5 + IL17A	0,7
CXCL9 + PF4 + TSLP + IHH	0,7
CXCL13 + IL17A + REN + PROM1	0,7
GZMH + CXCL13 + PF4 + IHH	0,7
PF4 + TSLP + REN + IHH	0,7
CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,7
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9	0,7
IFNG + CXCL13 + PF4 + PROM1	0,7
IFNG + ITGAE + CXCL9 + PF4	0,7
GNLY + LAG3 + ITGAE + TSLP	0,7
GNLY + CXCL9 + TSLP + PROM1	0,7
GNLY + LAG3 + CXCL9 + TSLP	0,7
CXCL13 + GNLY + CCL5 + VEGFA	0,7
LAG3 + IL17A + REN + IHH	0,7

Tabla 4: grupos de 4 genes:	
grupos de 4 genes	nivel de c_tau
GZMH + CXCL13 + IL17A + REN	0,7
GNLY + ITGAE + TSLP + PROM1	0,7
PF4 + IL17A + REN + IHH	0,7
CXCL13 + LAG3 + CCL5 + PF4	0,7
CXCL13 + PF4 + IHH + VEGFA	0,7
IFNG + CXCL13 + ITGAE + PF4	0,7
IFNG + CXCL13 + LAG3 + PF4	0,7
PF4 + REN + IHH + PROM1	0,7
IFNG + CXCL9 + PF4 + PROM1	0,7
CXCL9 + PF4 + IL17A + PROM1	0,7
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5	0,7
GNLY + ITGAE + CXCL9 + TSLP	0,7
ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,7
GNLY + LAG3 + TSLP + VEGFA	0,7
CXCL13 + CCL5 + PF4 + VEGFA	0,7
IFNG + PF4 + TSLP + REN	0,7
GNLY + CXCL9 + TSLP + VEGFA	0,7
ITGAE + PF4 + TSLP + VEGFA	0,7
GNLY + TSLP + PROM1 + VEGFA	0,7
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE	0,7
IFNG + CCL5 + CXCL9 + PF4	0,7
IFNG + ITGAE + IL17A + REN	0,7
CXCL13 + CCL5 + IL17A + REN	0,7
PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,7
GNLY + ITGAE + TSLP + VEGFA	0,7
ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4	0,7
GNLY + CXCL9 + TSLP + IHH	0,7
IFNG + CXCL13 + GNLY + IHH	0,7
IFNG + CXCL9 + REN + PROM1	0,7
PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,7
CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,7
LAG3 + CXCL9 + PF4 + TSLP	0,7
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3	0,7
LAG3 + IL17A + TSLP + REN	0,7
IFNG + CXCL13 + PF4 + VEGFA	0,7
ITGAE + PF4 + IL17A + VEGFA	0,7
GZMH + ITGAE + CXCL9 + REN	0,7

Tabla 4: grupos de 4 genes:	
grupos de 4 genes	nivel de c_tau
PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,7
IFNG + LAG3 + CXCL9 + REN	0,7
IFNG + CXCL13 + CCL5 + PF4	0,7
IFNG + CXCL13 + IL17A + REN	0,7
CCL5 + CXCL9 + PF4 + VEGFA	0,7
CXCL13 + CCL5 + PF4 + IHH	0,7
GZMH + GNLY + ITGAE + VEGFA	0,7
ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP	0,7
LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,7
GZMH + IFNG + CXCL9 + PF4	0,7
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5	0,7
GZMH + IFNG + CXCL9 + REN	0,7
GZMH + IFNG + CXCL13 + PF4	0,7
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5	0,7
IFNG + CXCL13 + PF4 + IHH	0,7
IFNG + ITGAE + TSLP + REN	0,7
LAG3 + CCL5 + REN + PROM1	0,7
GNLY + TSLP + IHH + PROM1	0,7
IFNG + LAG3 + REN + PROM1	0,7
GZMH + GNLY + LAG3 + PROM1	0,7
GNLY + LAG3 + CCL5 + IHH	0,7
GNLY + ITGAE + TSLP + IHH	0,7
GZMH + ITGAE + IL17A + REN	0,7
IFNG + CCL5 + CXCL9 + REN	0,7
GNLY + LAG3 + TSLP + IHH	0,7
LAG3 + CCL5 + CXCL9 + REN	0,7
IFNG + LAG3 + CXCL9 + PF4	0,7
GNLY + TSLP + IHH + VEGFA	0,7
GNLY + CCL5 + CXCL9 + VEGFA	0,7
GZMH + CXCL9 + PF4 + IHH	0,7
IFNG + ITGAE + PF4 + TSLP	0,7

Tabla 5: grupos de 5 genes:	
Grupos de 5 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN	0,78
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,77

Tabla 5: grupos de 5 genes:	
Grupos de 5 genes	nivel de c_tau
CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN	0,77
GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,77
GNLY + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + PF4 + IL17A + REN	0,77
GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + REN	0,77
GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,77
GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN	0,77
IFNG + GNLY + PF4 + REN + PROM1	0,77
GNLY + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN	0,77
IFNG + GNLY + PF4 + TSLP + REN	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + REN	0,77
IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A + REN	0,77
IFNG + GNLY + PF4 + REN + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + REN	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN	0,76
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + REN	0,76
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + REN	0,76
IFNG + GNLY + PF4 + REN + IHH	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + REN	0,76
IFNG + GNLY + IL17A + REN + IHH	0,76
GNLY + CCL5 + PF4 + REN + PROM1	0,76
IFNG + GNLY + IL17A + TSLP + REN	0,76
IFNG + GNLY + IL17A + REN + PROM1	0,76
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN	0,76
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + IL17A + REN	0,76
IFNG + GNLY + IL17A + REN + VEGFA	0,76
IFNG + GNLY + CCL5 + IL17A + REN	0,76
GNLY + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A	0,76
GNLY + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,76
GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + REN	0,76
GZMH + GNLY + PF4 + REN + PROM1	0,76
GNLY + ITGAE + PF4 + REN + PROM1	0,76

Tabla 5: grupos de 5 genes:	
Grupos de 5 genes	nivel de c_tau
GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,76
GNLY + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,76
GNLY + LAG3 + PF4 + REN + PROM1	0,76
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + REN	0,76
GZMH + GNLY + PF4 + TSLP + REN	0,76
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + REN	0,76
GNLY + CCL5 + PF4 + REN + IHH	0,76
GNLY + CCL5 + PF4 + REN + VEGFA	0,76
GNLY + ITGAE + PF4 + TSLP + REN	0,76
GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN	0,76
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + REN	0,76
CXCL13 + GNLY + PF4 + REN + PROM1	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + REN	0,76
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + REN	0,76
GNLY + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,76
GNLY + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,76
GNLY + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,76
GNLY + LAG3 + PF4 + TSLP + REN	0,76
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A	0,76
GZMH + GNLY + PF4 + REN + IHH	0,76
GZMH + GNLY + LAG3 + PF4 + REN	0,76
GZMH + GNLY + PF4 + REN + VEGFA	0,76
GNLY + ITGAE + PF4 + REN + VEGFA	0,76
GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + REN	0,76
GNLY + ITGAE + PF4 + REN + IHH	0,76
GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + REN	0,76
GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + REN	0,75
GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + IHH	0,75
GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + VEGFA	0,75
GNLY + PF4 + REN + IHH + VEGFA	0,75
CXCL13 + GNLY + PF4 + TSLP + REN	0,75
GNLY + LAG3 + PF4 + REN + IHH	0,75
GZMH + CXCL13 + GNLY + IL17A + REN	0,75
GNLY + LAG3 + PF4 + REN + VEGFA	0,75
GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN	0,75

Tabla 5: grupos de 5 genes:	
Grupos de 5 genes	nivel de c_tau
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + REN	0,75
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + REN	0,75
GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,75
CXCL13 + GNLY + IL17A + REN + IHH	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A	0,75
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A	0,75
CXCL13 + GNLY + PF4 + REN + VEGFA	0,75
CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + REN	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A	0,75
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN	0,75
GZMH + GNLY + ITGAE + IL17A + REN	0,75
GZMH + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A	0,75
CXCL13 + GNLY + PF4 + REN + IHH	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A	0,75
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + IHH	0,75
CXCL13 + GNLY + IL17A + TSLP + REN	0,75
GNLY + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A + REN	0,75
CXCL13 + GNLY + IL17A + REN + PROM1	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A	0,75
GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A	0,75
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A	0,75
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + TSLP	0,75
GNLY + ITGAE + IL17A + REN + IHH	0,75
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP	0,75
GNLY + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + REN	0,75
CXCL13 + GNLY + IL17A + REN + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A	0,75
CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A + REN	0,75
IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + TSLP	0,75
GZMH + GNLY + IL17A + REN + IHH	0,75

Tabla 5: grupos de 5 genes:	
Grupos de 5 genes	nivel de c_tau
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + VEGFA	0,75
CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + PROM1	0,75
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + PROM1	0,75
GNLY + LAG3 + IL17A + REN + IHH	0,75
CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + TSLP	0,75
GNLY + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,75
GNLY + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A	0,75
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + IHH	0,75
CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + VEGFA	0,75
GZMH + GNLY + LAG3 + IL17A + REN	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + TSLP + REN	0,75
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A	0,75
IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A + TSLP	0,75
IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + VEGFA	0,75
IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + PROM1	0,75
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + VEGFA	0,75
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A	0,75
CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + IHH	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A	0,75
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A	0,75
GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP + REN	0,75
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + IL17A	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + IHH	0,75
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + VEGFA	0,75
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + IL17A	0,74
GNLY + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,74
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + PROM1	0,74
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A	0,74
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + PROM1	0,74
GZMH + GNLY + IL17A + TSLP + REN	0,74
IFNG + GNLY + IL17A + TSLP + VEGFA	0,74

Tabla 5: grupos de 5 genes:	
Grupos de 5 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + IHH	0,74
GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN	0,74
IFNG + GNLY + CCL5 + IL17A + TSLP	0,74
GNLY + ITGAE + IL17A + REN + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + GNLY + IL17A + TSLP	0,74
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,74
GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,74
GZMH + GNLY + IL17A + REN + PROM1	0,74
GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,74
GNLY + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,74
IFNG + GNLY + IL17A + TSLP + PROM1	0,74
GNLY + LAG3 + IL17A + TSLP + REN	0,74
GNLY + ITGAE + IL17A + REN + PROM1	0,74
CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A	0,74
GNLY + LAG3 + IL17A + REN + PROM1	0,74
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A	0,74
GNLY + LAG3 + CXCL9 + IL17A + REN	0,74
GNLY + CCL5 + IL17A + TSLP + REN	0,74
IFNG + GNLY + PF4 + TSLP + IHH	0,74
GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A + REN	0,74
GNLY + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,74
IFNG + GNLY + ITGAE + REN + PROM1	0,74
GNLY + LAG3 + IL17A + REN + VEGFA	0,74
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP	0,74
GZMH + GNLY + IL17A + REN + VEGFA	0,74
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + TSLP	0,74
GNLY + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,74
IFNG + GNLY + TSLP + REN + PROM1	0,74
IFNG + GNLY + IL17A + TSLP + IHH	0,74
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + TSLP	0,74
GNLY + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,74
IFNG + GNLY + PF4 + TSLP + VEGFA	0,74
IFNG + GNLY + PF4 + TSLP + PROM1	0,74
IFNG + GNLY + TSLP + REN + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + IL17A	0,74
GZMH + CXCL13 + GNLY + IL17A + TSLP	0,74
CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP	0,74

Tabla 5: grupos de 5 genes:	
Grupos de 5 genes	nivel de c_tau
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,74
IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A + VEGFA	0,74
IFNG + GNLY + CXCL9 + TSLP + REN	0,74
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A	0,74
GZMH + GNLY + CCL5 + IL17A + REN	0,74
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + REN	0,74
IFNG + GNLY + CCL5 + IL17A + VEGFA	0,74
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + TSLP	0,74
IFNG + GNLY + LAG3 + TSLP + REN	0,74
IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A + IHH	0,74
IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A + PROM1	0,74
IFNG + GNLY + CCL5 + TSLP + REN	0,74
CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + IHH	0,74
IFNG + GNLY + ITGAE + REN + VEGFA	0,74
IFNG + GNLY + CCL5 + IL17A + PROM1	0,74
GZMH + IFNG + GNLY + TSLP + REN	0,74
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IHH	0,74
CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + VEGFA	0,74
GNLY + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,74
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + TSLP	0,74
GZMH + IFNG + GNLY + IL17A + VEGFA	0,74
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + TSLP	0,74
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + REN	0,74
IFNG + GNLY + IL17A + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + GNLY + IL17A + PROM1	0,74
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + REN	0,74
GZMH + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A	0,74
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + REN	0,74
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + REN	0,74
IFNG + GNLY + CCL5 + IL17A + IHH	0,74
IFNG + GNLY + IL17A + IHH + VEGFA	0,74
CXCL13 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,74
GZMH + IFNG + GNLY + IL17A + IHH	0,74
CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + PROM1	0,74
CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,74
IFNG + GNLY + LAG3 + REN + PROM1	0,74
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4	0,74

Tabla 5: grupos de 5 genes:	
Grupos de 5 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + REN + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A	0,74
IFNG + GNLY + IL17A + IHH + PROM1	0,74
GZMH + CXCL13 + GNLY + IL17A + VEGFA	0,74
IFNG + GNLY + TSLP + REN + IHH	0,74
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A	0,74
GZMH + CXCL13 + GNLY + IL17A + PROM1	0,74
CXCL13 + LAG3 + PF4 + IL17A + REN	0,74
IFNG + GNLY + CXCL9 + REN + PROM1	0,74
IFNG + GNLY + CCL5 + REN + PROM1	0,74
IFNG + GNLY + PF4 + IHH + VEGFA	0,74
CXCL13 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,74
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A	0,74
GNLY + ITGAE + CCL5 + TSLP + REN	0,74
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A	0,74
CXCL13 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,74
IFNG + GNLY + ITGAE + REN + IHH	0,74
CXCL13 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,74
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IHH	0,74
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4	0,74
GZMH + CXCL13 + PF4 + IL17A + REN	0,74
CXCL13 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN	0,74
CXCL13 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,74
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IHH	0,74
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + TSLP	0,74
GZMH + CXCL13 + GNLY + IL17A + IHH	0,74
GNLY + LAG3 + CCL5 + REN + PROM1	0,74
CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A + TSLP	0,74
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP	0,74
GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + VEGFA	0,74
IFNG + GNLY + PF4 + IHH + PROM1	0,74
GZMH + IFNG + GNLY + REN + PROM1	0,74
GZMH + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,74
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + TSLP	0,74
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + TSLP	0,74
LAG3 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,74
IFNG + GNLY + CCL5 + REN + VEGFA	0,74

Tabla 5: grupos de 5 genes:	
Grupos de 5 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + IHH	0,74
IFNG + GNLY + CXCL9 + REN + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + GNLY + REN + VEGFA	0,74
CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,74
CXCL13 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,74
IFNG + CXCL13 + PF4 + IL17A + REN	0,74
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IHH	0,74
LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN	0,74
IFNG + GNLY + LAG3 + REN + VEGFA	0,73
GZMH + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,73
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A + TSLP	0,73
GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP	0,73
IFNG + GNLY + ITGAE + TSLP + PROM1	0,73
ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN + VEGFA	0,73
CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,73
IFNG + GNLY + REN + IHH + PROM1	0,73
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A	0,73
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4	0,73
IFNG + GNLY + ITGAE + TSLP + VEGFA	0,73
ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,73
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + PROM1	0,73
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + REN	0,73
IFNG + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,73
LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,73
GZMH + ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN	0,73
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4	0,73
IFNG + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,73
CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP	0,73
CXCL13 + GNLY + IL17A + TSLP + PROM1	0,73
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP	0,73
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + REN	0,73
CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,73
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + REN	0,73
CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,73
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + TSLP	0,73
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + TSLP	0,73
IFNG + GNLY + ITGAE + TSLP + IHH	0,73

Tabla 5: grupos de 5 genes:	
Grupos de 5 genes	nivel de c_tau
CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + VEGFA	0,73
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + PROM1	0,73
CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,73
CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,73
CXCL13 + GNLY + IL17A + TSLP + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + REN	0,73
GZMH + CXCL9 + PF4 + REN + VEGFA	0,73
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP	0,73
GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP	0,73
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + TSLP	0,73
CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,73
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9	0,73
CXCL9 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,73
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + TSLP	0,73
GNLY + ITGAE + CCL5 + REN + PROM1	0,73
IFNG + CXCL9 + PF4 + REN + VEGFA	0,73
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A	0,73
ITGAE + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,73
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + IHH	0,73
LAG3 + CXCL9 + PF4 + REN + VEGFA	0,73
IFNG + GNLY + REN + IHH + VEGFA	0,73
GZMH + LAG3 + CXCL9 + PF4 + REN	0,73
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A	0,73
GZMH + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,73
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + IL17A	0,73
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,73
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A + VEGFA	0,73
GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + PROM1	0,73
CXCL9 + PF4 + REN + IHH + VEGFA	0,73
GNLY + CCL5 + CXCL9 + TSLP + REN	0,73
LAG3 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,73
CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A + VEGFA	0,73
IFNG + GNLY + CXCL9 + TSLP + VEGFA	0,73
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + VEGFA	0,73
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A	0,73
IFNG + GNLY + CXCL9 + TSLP + PROM1	0,73
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + PROM1	0,73

Tabla 5: grupos de 5 genes:	
Grupos de 5 genes	nivel de c_tau
CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A + PROM1	0,73
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4	0,73
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + TSLP	0,73
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + TSLP	0,73
IFNG + GNLY + CCL5 + REN + IHH	0,73
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + TSLP	0,73
CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,73
IFNG + GNLY + CXCL9 + REN + IHH	0,73
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A + PROM1	0,73
IFNG + GNLY + PF4 + PROM1 + VEGFA	0,73
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + PROM1	0,73
IFNG + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,73
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + PROM1	0,73
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + REN	0,73
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4	0,73
LAG3 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,73
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + VEGFA	0,73
LAG3 + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,73
LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,73
IFNG + ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN	0,73
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + PROM1	0,73
GZMH + GNLY + PF4 + IL17A + IHH	0,73
CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL 17A + PROM1	0,73
ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN	0,73
IFNG + GNLY + TSLP + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP	0,73
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4	0,73
CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A + VEGFA	0,73
CXCL9 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,73
IFNG + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN	0,73
GZMH + GNLY + ITGAE + TSLP + REN	0,73
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + PROM1	0,73
GZMH + IFNG + CXCL9 + PF4 + REN	0,73
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4	0,73
IFNG + GNLY + LAG3 + TSLP + PROM1	0,73
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + REN	0,73
IFNG + GNLY + LAG3 + REN + IHH	0,73

Tabla 5: grupos de 5 genes:	
Grupos de 5 genes	nivel de c_tau
CXCL13 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,73
LAG3 + CCL5 + PF4 + REN + PROM1	0,73
CXCL13 + GNLY + PF4 + TSLP + PROM1	0,73
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IHH	0,73
CXCL13 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,73
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + PROM1	0,73
CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,73
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IHH	0,73
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + GNLY + REN + IHH	0,73
LAG3 + ITGAE + PF4 + REN + VEGFA	0,73
IFNG + CXCL13 + GNLY + TSLP + REN	0,73
GZMH + IFNG + GNLY + TSLP + VEGFA	0,73
GZMH + GNLY + CXCL9 + TSLP + REN	0,73
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IHH	0,73
LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN	0,73
ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,73
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP	0,73
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A	0,73
CXCL13 + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,73
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A	0,73
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + VEGFA	0,73
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IHH	0,73
IFNG + LAG3 + CXCL9 + PF4 + REN	0,73
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4	0,73
IFNG + GNLY + CCL5 + TSLP + PROM1	0,73
ITGAE + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,73
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + VEGFA	0,73
GZMH + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN	0,73
CXCL13 + LAG3 + PF4 + REN + PROM1	0,73
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4	0,73
GZMH + CXCL13 + CXCL9 + PF4 + REN	0,73
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + TSLP	0,73
GZMH + GNLY + CXCL9 + IL17A + TSLP	0,73
IFNG + GNLY + LAG3 + TSLP + VEGFA	0,73
IFNG + GNLY + CCL5 + TSLP + VEGFA	0,73
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4	0,73

Tabla 5: grupos de 5 genes:	
Grupos de 5 genes	nivel de c_tau
GNLY + CCL5 + CXCL9 + REN + PROM1	0,73
CXCL13 + CXCL9 + PF4 + REN + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + VEGFA	0,73
GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + PROM1	0,73
CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + TSLP	0,73
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + TSLP	0,73
ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN + IHH	0,73
LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,73
IFNG + GNLY + CXCL9 + TSLP + IHH	0,73
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4	0,73
GZMH + CXCL9 + PF4 + REN + IHH	0,73
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4	0,73
CXCL13 + GNLY + IL17A + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4	0,73
IFNG + CXCL9 + PF4 + REN + IHH	0,73
GZMH + IFNG + GNLY + TSLP + PROM1	0,73
GZMH + LAG3 + PF4 + IL17A + REN	0,73
CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A + IHH	0,73
GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + PROM1	0,73
CXCL13 + GNLY + PF4 + TSLP + VEGFA	0,73
GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + VEGFA	0,73
GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + PROM1	0,73
CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH	0,73
GZMH + GNLY + CXCL9 + IL17A + VEGFA	0,73
CXCL13 + ITGAE + PF4 + REN + PROM1	0,73
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IHH	0,73
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A	0,73
CXCL13 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN	0,73
GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + IHH	0,73
GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + IHH	0,73
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4	0,73
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + REN	0,73
LAG3 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,73
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + REN	0,73
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + VEGFA	0,73
GZMH + GNLY + PF4 + IL17A + VEGFA	0,73
IFNG + LAG3 + PF4 + IL17A + REN	0,73

Tabla 5: grupos de 5 genes:	
Grupos de 5 genes	nivel de c_tau
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + PROM1	0,73
GNLY + LAG3 + CCL5 + TSLP + REN	0,73
LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN	0,73
GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP	0,73
GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + IHH	0,73
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + TSLP	0,73
CXCL13 + LAG3 + PF4 + TSLP + REN	0,73
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4	0,73
GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + TSLP	0,73
ITGAE + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + GNLY + CXCL9 + REN + PROM1	0,73
GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + IHH	0,73
CXCL13 + LAG3 + CXCL9 + PF4 + REN	0,73
GNLY + PF4 + IL17A + IHH + PROM1	0,73
GZMH + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A	0,73
LAG3 + ITGAE + PF4 + REN + PROM1	0,73
CXCL13 + ITGAE + PF4 + TSLP + REN	0,73
LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,73
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A + IHH	0,73
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A	0,73
CXCL13 + ITGAE + PF4 + REN + VEGFA	0,73
CXCL13 + GNLY + IL17A + TSLP + IHH	0,73
CXCL13 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN	0,73
GZMH + LAG3 + PF4 + REN + PROM1	0,73
IFNG + CXCL13 + GNLY + REN + PROM1	0,73
ITGAE + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,73
GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP	0,73
GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + IHH	0,73
GZMH + GNLY + ITGAE + REN + PROM1	0,73
GNLY + PF4 + IL17A + IHH + VEGFA	0,73
IFNG + GNLY + LAG3 + TSLP + IHH	0,73
GZMH + GNLY + PF4 + IL17A + PROM 1	0,73
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5	0,73
GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP	0,73
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + VEGFA	0,73
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + TSLP	0,73
CXCL13 + GNLY + PF4 + TSLP + IHH	0,73

Tabla 5: grupos de 5 genes:	
Grupos de 5 genes	nivel de c_tau
IFNG + LAG3 + PF4 + REN + PROM1	0,73
LAG3 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH	0,73
GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + VEGFA	0,73
CXCL13 + LAG3 + PF4 + REN + VEGFA	0,73
GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,73
GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + VEGFA	0,73
LAG3 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,73
GZMH + CXCL13 + ITGAE + PF4 + REN	0,73
CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A + IHH	0,73
CXCL13 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,73
CXCL13 + LAG3 + ITGAE + PF4 + REN	0,73
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + PROM1	0,73
LAG3 + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,73
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PROM1	0,73
GZMH + CXCL13 + LAG3 + PF4 + REN	0,73
IFNG + GNLY + TSLP + IHH + VEGFA	0,73
GZMH + LAG3 + ITGAE + PF4 + REN	0,73

Tabla 6: grupos de 6 genes:	
grupos de 6 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN	0,78
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN	0,77

Tabla 6: grupos de 6 genes:	
grupos de 6 genes	nivel de c_tau
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN	0,77
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,77
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,77
GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN	0,77
CXCL13 + GNLY + PF4+IL17A+REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,77
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,77
GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
GZMH + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP + REN	0,77
GZMH + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN	0,77
GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,77
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + REN + PROM1	0,77
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77
CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
GZMH + GNLY + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + REN	0,77
GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GNLY + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN	0,77
GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,77

Tabla 6: grupos de 6 genes:	
grupos de 6 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN	0,77
GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN	0,77
GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + REN + IHH	0,77
GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A + REN	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + REN	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,77
GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + REN	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,77
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + TSLP + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + TSLP + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A + REN	0,77
IFNG + GNLY + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,77
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + REN	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + TSLP + REN	0,77

Tabla 6: grupos de 6 genes:	
grupos de 6 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + IL17A + REN	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A + TSLP + REN	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + REN + IHH	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A + REN	0,77
GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + REN	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + REN + VEGFA	0,77
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,77
IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,77
GNLY + CCL5 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + PF4 + REN + IHH + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + REN + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + REN	0,76
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + REN	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + REN + IHH	0,76
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + REN	0,76
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN	0,76
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + REN + VEGFA	0,76
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + REN + IHH	0,76
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A	0,76
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,76
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + IHH	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + REN	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,76
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + REN + IHH	0,76
IFNG + GNLY + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,76

Tabla 6: grupos de 6 genes:	
grupos de 6 genes	nivel de c_tau
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN	0,76
GNLY + CCL5 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + REN + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + REN + IHH	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + REN + PROM1	0,76
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + IL17A + REN + IHH	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + REN	0,76
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + REN + PROM1	0,76
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN	0,76
IFNG + GNLY + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,76
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN	0,76
IFNG + GNLY + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + TSLP + REN	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A + REN	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + IL17A + TSLP + REN	0,76
IFNG + GNLY + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,76
IFNG + GNLY + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,76
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + VEGFA	0,76
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A	0,76
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + IHH	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + IL17A + REN	0,76
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH	0,76
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN	0,76
IFNG + GNLY + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + IL17A + REN + PROM1	0,76
GZMH + GNLY + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,76
IFNG + GNLY + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,76
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + TSLP + REN	0,76
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + VEGFA	0,76
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A	0,76
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN	0,76
IFNG + GNLY + CCL5 + IL17A + TSLP + REN	0,76
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + REN + PROM1	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,76

Tabla 6: grupos de 6 genes:	
grupos de 6 genes	nivel de c_tau
GNLY + ITGAE + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + PROM1	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + IL17A + REN + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + REN + PROM1	0,76
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + TSLP + REN	0,76
GNLY + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,76
IFNG + GNLY + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,76
GNLY + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,76
GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,76
GNLY + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,76
GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN	0,76
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + IHH	0,76
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + VEGFA	0,76
GNLY + ITGAE + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,76
GZMH + GNLY + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,76
GNLY + LAG3 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,76
GNLY + LAG3 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,76
GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,76
GNLY + PF4 + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,76
GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,76
GZMH + GNLY + LAG3 + PF4 + REN + PROM1	0,76
GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,76
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + REN	0,76
GZMH + GNLY + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,76
GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + REN + PROM1	0,76
GNLY + ITGAE + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,76
GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,76
GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,76
GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,76
GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,76
GNLY + LAG3 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,76

Tabla 6: grupos de 6 genes:	
grupos de 6 genes	nivel de c_tau
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,76
GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,76
CXCL13 + GNLY + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,76
GZMH + GNLY + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,76
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + REN + VEGFA	0,76
GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,76
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + PROM1	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + REN	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + TSLP + REN	0,76
GZMH + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN	0,76
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + REN + IHH	0,76
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + REN	0,76
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + REN + IHH	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + REN + PROM1	0,76
GNLY + CCL5 + PF4 + REN + IHH + VEGFA	0,76
GZMH + GNLY + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,76
GNLY + ITGAE + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,76
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + REN + PROM1	0,76
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + REN + VEGFA	0,76
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + REN + PROM1	0,76
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + REN	0,76
GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + TSLP + REN	0,76
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN	0,76
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + REN + IHH	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN	0,76
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + REN + VEGFA	0,76
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN	0,76
GZMH + GNLY + LAG3 + PF4 + TSLP + REN	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + REN + VEGFA	0,76
GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,76
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A	0,76
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + REN	0,76
GNLY + ITGAE + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,76
GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,76
CXCL13 + GNLY + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + TSLP + REN	0,76

Tabla 6: grupos de 6 genes:	
grupos de 6 genes	nivel de c_tau
CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + REN + PROM1	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,76
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + VEGFA	0,76
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A	0,76
GZMH + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + REN	0,76
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + IHH	0,76
GZMH + CXCL13 + GNLY + IL17A + REN + IHH	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + REN	0,76
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + IHH	0,76
GNLY + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,76
GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + REN	0,76
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A	0,76
GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,76
GNLY + PF4 + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,76
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + REN	0,76
GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,76
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + TSLP + REN	0,76
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP	0,76
GNLY + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + REN	0,76
GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A	0,76
GNLY + ITGAE + PF4 + REN + IHH + VEGFA	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + REN + VEGFA	0,76
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP	0,76
GNLY + LAG3 + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,76
GZMH + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,76
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A	0,76
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,76
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + TSLP + REN	0,76
GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + TSLP + REN	0,76
GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + REN + IHH	0,76
GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + REN + VEGFA	0,76

Tabla 6: grupos de 6 genes:	
grupos de 6 genes	nivel de c_tau
GNLY + LAG3 + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,76
GZMH + GNLY + PF4 + REN + IHH + VEGFA	0,76
GZMH + GNLY + LAG3 + PF4 + REN + IHH	0,76
GZMH + GNLY + LAG3 + PF4 + REN + VEGFA	0,76
CXCL13 + GNLY + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,76
GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH	0,76
GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN + VEGFA	0,76
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A + REN	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + REN + IHH	0,76
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + REN	0,76
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + TSLP + REN	0,76
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A	0,76
GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + REN + VEGFA	0,76
GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN + IHH	0,76
GZMH + CXCL13 + GNLY + IL17A + TSLP + REN	0,76
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + REN	0,76
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + IHH	0,76
GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + IHH + VEGFA	0,76
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + VEGFA	0,75
GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,75
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + REN	0,75
GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,75
GZMH + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A + REN + IHH	0,75
CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + TSLP + REN	0,75
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + REN + IHH	0,75
CXCL13 + GNLY + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,75
GZMH + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN	0,75
GNLY + LAG3 + PF4 + REN + IHH + VEGFA	0,75
CXCL13 + GNLY + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A	0,75
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,75
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,75
GZMH + CXCL13 + GNLY + IL17A + REN + VEGFA	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + IHH	0,75
GZMH + GNLY + ITGAE + IL17A + REN + IHH	0,75

Tabla 6: grupos de 6 genes:	
grupos de 6 genes	nivel de c_tau
GZMH + GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP + REN	0,75
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + REN	0,75
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + PROM1	0,75
GZMH + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN	0,75
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A + REN	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + IHH	0,75
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A	0,75
GZMH + CXCL13 + GNLY + IL17A + REN + PROM1	0,75
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A	0,75
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + REN + VEGFA	0,75
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,75
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + REN + VEGFA	0,75
CXCL13 + GNLY + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,75
CXCL13 + GNLY + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,75
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + REN	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + TSLP	0,75
GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,75
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + REN	0,75
CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + REN + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A	0,75
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + IHH	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP	0,75
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A + REN	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + VEGFA	0,75
GZMH + GNLY + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,75
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + REN + IHH	0,75
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN	0,75
GZMH + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,75
GZMH + GNLY + LAG3 + CXCL9 + IL17A + REN	0,75
CXCL13 + GNLY + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,75
GNLY + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,75

Tabla 6: grupos de 6 genes:	
grupos de 6 genes	nivel de c_tau
GZMH + GNLY + ITGAE + IL17A + REN + PROM1	0,75
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A	0,75
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + VEGFA	0,75
GZMH + GNLY + ITGAE + IL17A + REN + VEGFA	0,75
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + PROM1	0,75
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + REN	0,75
GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,75
GZMH + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,75
GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + PROM1	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP	0,75
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + IHH	0,75
GZMH + GNLY + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,75
GNLY + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + REN + IHH	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + PROM1	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A	0,75
GZMH + GNLY + LAG3 + IL17A + REN + IHH	0,75
CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A + REN + IHH	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + VEGFA	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + PROM1	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + VEGFA	0,75
CXCL13 + GNLY + PF4 + REN + IHH + VEGFA	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,75
GNLY + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A	0,75
GNLY + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,75
CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + REN + IHH	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A + TSLP + REN	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + REN + PROM1	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + IHH	0,75
GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,75
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + IHH	0,75
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + IHH	0,75

Tabla 6: grupos de 6 genes:	
grupos de 6 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,75
GNLY + ITGAE + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,75
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + IHH	0,75
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + IHH	0,75
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + IHH	0,75
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + IHH + VEGFA	0,75
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A	0,75
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,75
CXCL13 + GNLY + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,75
GNLY + LAG3 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,75
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + TSLP	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + PROM1	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A + REN + PROM1	0,75
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A	0,75
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + VEGFA	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP + VEGFA	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + TSLP	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + IHH	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + VEGFA	0,75
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP	0,75
GNLY + ITGAE + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,75
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A	0,75
CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP + REN	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP	0,75
GZMH + GNLY + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,75
GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,75
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + PROM1	0,75
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + TSLP	0,75
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + IHH + PROM1	0,75
CXCL13 + GNLY + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + IL17A + REN	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A + TSLP	0,75
GNLY + LAG3 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,75
IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + TSLP + VEGFA	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + IL17A	0,75
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A + VEGFA	0,75

Tabla 6: grupos de 6 genes:	
grupos de 6 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A + TSLP	0,75
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + VEGFA	0,75
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A	0,75
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + PROM1	0,75
GNLY + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + TSLP + REN + PROM1	0,75
GNLY + LAG3 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A + REN	0,75
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP	0,75
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A + PROM1	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A + TSLP	0,75
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,75
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + TSLP	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + TSLP + VEGFA	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A + REN + VEGFA	0,75
GZMH + GNLY + LAG3 + IL17A + TSLP + REN	0,75
GZMH + GNLY + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + VEGFA	0,75
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + TSLP	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IHH	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A + VEGFA	0,75
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + IHH	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + TSLP + PROM1	0,75
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,75
GNLY + LAG3 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + REN	0,75
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + REN	0,75
CXCL13 + GNLY + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP	0,75
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP	0,75
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + PROM1	0,75
GNLY + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A + REN + PROM1	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A	0,75

Tabla 6: grupos de 6 genes:	
grupos de 6 genes	nivel de c_tau
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + IHH	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP + PROM1	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + REN + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP	0,75
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + IL17A	0,75
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + IL17A + TSLP	0,75
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + VEGFA	0,75
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A + PROM1	0,75
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + TSLP	0,75
CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + TSLP + PROM1	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + PROM1	0,75
GZMH + GNLY + LAG3 + IL17A + REN + PROM1	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP + IHH	0,75
GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A + REN + IHH	0,75
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A	0,75
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A	0,75
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + VEGFA	0,75
GZMH + GNLY + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,75
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + IHH	0,75
GNLY + CCL5 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,75
IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + TSLP + PROM1	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + IHH	0,75
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + IHH	0,75
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + VEGFA	0,75
CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A + REN + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + TSLP + REN	0,75
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + VEGFA	0,75
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A + PROM1	0,75
CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + PROM1 + VEGFA	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + REN + IHH	0,75
CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + TSLP + VEGFA	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + PROM1	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + PROM1 + VEGFA	0,75
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + PROM1	0,75

Tabla 6: grupos de 6 genes:	
grupos de 6 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A	0,75
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + IHH	0,75
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,75

Tabla 7: grupos de 7 genes:	
Grupos de 7 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,79
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN	0,79
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78

Tabla 7: grupos de 7 genes:	
Grupos de 7 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN	0,78

Tabla 7: grupos de 7 genes:	
Grupos de 7 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + PROM1	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN	0,77
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL 17A + REN + PROM 1	0,77
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM 1	0,77
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,77

Tabla 7: grupos de 7 genes:	
Grupos de 7 genes :	nivel de c_tau
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN	0,77
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL 17A + REN + PROM 1	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,77
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM 1	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,77
GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,77
GZMH + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM 1	0,77
GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM 1	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + IHH	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN	0,77
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,77
GZMH + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + REN + PROM1	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,77
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77

Tabla 7: grupos de 7 genes:	
Grupos de 7 genes	nivel de c_tau
CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP + REN	0,77
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,77
GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,77
GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + PROM1	0,77
GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A + TSLP + REN	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,77
GZMH + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN	0,77

Tabla 7: grupos de 7 genes:	
Grupos de 7 genes	nivel de c_tau
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,77
GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77
CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM 1	0,77
GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + TSLP + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + REN	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + REN + IHH	0,77
GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN	0,77
GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
CXCL13 + GNLY + PF4 + IL 17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,77

Tabla 7: grupos de 7 genes:	
Grupos de 7 genes	nivel de c_tau
GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A + REN	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL 17A + REN + PROM 1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + TSLP + REN + PROM 1	0,77
GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A + REN + PROM 1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + REN	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A + REN + IHH	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + REN + PROM 1	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + REN + IHH + PROM 1	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,77
GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,77

Tabla 7: grupos de 7 genes:	
Grupos de 7 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + TSLP + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + TSLP + REN	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + REN + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,77
IFNG + GNLY + PF4 + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + TSLP + REN	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,77
GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A + REN	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + REN + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,77

Tabla 7: grupos de 7 genes:	
Grupos de 7 genes	nivel de c_tau
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + IL17A + REN	0,77
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP + REN	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + REN + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + PF4 + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + IL17A + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + REN + IHH	0,77
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + TSLP + REN	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,77
GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A + REN	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A + TSLP + REN	0,77
IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + REN + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + IHH	0,77
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77

Tabla 7: grupos de 7 genes:	
Grupos de 7 genes	nivel de c_tau
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN	0,77
CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A + REN + IHH + PROM 1	0,77
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,77
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,77
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A	0,77
GNLY + CCL5 + PF4 + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + REN + IHH	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + REN	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,77

Tabla 7: grupos de 7 genes:	
Grupos de 7 genes	nivel de c_tau
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN	0,77
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + IL17A + REN + PROM 1	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + REN + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + REN + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + REN + VEGFA	0,77
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + TSLP + REN	0,76
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + REN + IHH + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,76
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,76
IFNG + GNLY + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,76
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + REN + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,76
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + REN + IHH + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + REN + IHH	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + REN + IHH	0,76
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + VEGFA	0,76
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,76
IFNG + GNLY + CCL5 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,76
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + VEGFA	0,76
GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,76
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + IHH	0,76
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + VEGFA	0,76
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH	0,76
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,76
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN	0,76

Tabla 7: grupos de 7 genes:	
Grupos de 7 genes	nivel de c_tau
GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,76
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A + REN	0,76
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,76
GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + REN	0,76
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + IHH	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + REN + PROM1	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + IL 17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,76
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,76
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + PROM1	0,76
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,76
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + IHH	0,76
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + IHH + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + IL 17A + REN + IHH + PROM 1	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + REN + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A + REN + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A + REN	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A + TSLP + REN	0,76
IFNG + GNLY + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL 17A + REN + PROM 1	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A	0,76
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + TSLP + REN	0,76
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + TSLP + REN	0,76
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN + IHH	0,76
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + IL17A + REN + IHH	0,76

Tabla 7: grupos de 7 genes:	
Grupos de 7 genes	nivel de c_tau
IFNG + CXCL13 + GNLY + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A	0,76
IFNG + GNLY + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,76
GZMH + GNLY + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,76
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,76
GZMH + GNLY + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A	0,76
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + PROM1	0,76
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,76
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + VEGFA	0,76
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,76
GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,76
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + IHH + VEGFA	0,76
IFNG + GNLY + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + REN + PROM1	0,76
GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,76
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN	0,76
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,76
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + IHH	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + IHH	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,76
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + PROM1	0,76
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,76
GZMH + GNLY + LAG3 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,76
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + PROM1	0,76
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,76
GNLY + ITGAE + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,76

Tabla 7: grupos de 7 genes:	
Grupos de 7 genes	nivel de c_tau
GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,76
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,76
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A	0,76
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + VEGFA	0,76
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + IL17A + REN	0,76
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH	0,76
GNLY + ITGAE + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,76
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + IHH	0,76
IFNG + GNLY + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,76
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + IHH	0,76
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + TSLP + REN	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + REN + PROM1	0,76
GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A	0,76
IFNG + GNLY + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,76
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,76
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + PROM1	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + IL17A + TSLP + REN	0,76
GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + IHH	0,76
GZMH + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,76
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,76

Tabla 8: grupos de 8 genes:	
grupos de 8 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,8
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,8
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79

Tabla 8: grupos de 8 genes:	
grupos de 8 genes	nivel de c_tau
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,79
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,79

Tabla 8: grupos de 8 genes:	
grupos de 8 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78

Tabla 8: grupos de 8 genes:	
grupos de 8 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78

Tabla 8: grupos de 8 genes:	
grupos de 8 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78

Tabla 8: grupos de 8 genes:	
grupos de 8 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78

Tabla 8: grupos de 8 genes:	
grupos de 8 genes	nivel de c_tau
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL 13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN	0,78
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,78

Tabla 8: grupos de 8 genes:	
grupos de 8 genes	nivel de c_tau
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + REN + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,78
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,78

Tabla 8: grupos de 8 genes:	
grupos de 8 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + IHH	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,77
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,77
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77

Tabla 8: grupos de 8 genes:	
grupos de 8 genes	nivel de c_tau
GZMH + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + TSLP + REN	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,77

Tabla 8: grupos de 8 genes:	
grupos de 8 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,77
GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
CXCL 13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77

Tabla 8: grupos de 8 genes:	
grupos de 8 genes	nivel de c_tau
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A + TSLP + REN	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,77
CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + IHH + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77

Tabla 8: grupos de 8 genes:	
grupos de 8 genes	nivel de c_tau
GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,77
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,77

Tabla 8: grupos de 8 genes:	
grupos de 8 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,77
CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + TSLP + REN	0,77
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + IHH + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,77
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77

Tabla 8: grupos de 8 genes:	
grupos de 8 genes	nivel de c_tau
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL 17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,77

Tabla 9: grupos de 9 genes:	
grupos de 9 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,8
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,8
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,8
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,8
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,8
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,8
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,8
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,8
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,8
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79

grupos de 9 genes	nivel de c_tau
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79

grupos de 9 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79

grupos de 9 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79

grupos de 9 genes	nivel de c_tau
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78

grupos de 9 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78

grupos de 9 genes	nivel de c_tau
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78

grupos de 9 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,78
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78

grupos de 9 genes	nivel de c_tau
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78

grupos de 9 genes	nivel de c_tau
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78

grupos de 9 genes	nivel de c_tau
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78

grupos de 9 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN	0,78
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78

grupos de 9 genes	nivel de c_tau
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78

grupos de 9 genes	nivel de c_tau
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,78
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78

Tabla 10: grupos de 10 genes:	
grupos de 10 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,8
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,8
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,8
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,8
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,8

Tabla 10: grupos de 10 genes:	
grupos de 10 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,8
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,8
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,8
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,8
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,8
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,8
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,8
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,8
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,8
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79

Tabla 10: grupos de 10 genes:	
grupos de 10 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79

Tabla 10: grupos de 10 genes:	
grupos de 10 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79

Tabla 10: grupos de 10 genes:	
grupos de 10 genes	nivel de c_tau
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79

Tabla 10: grupos de 10 genes:	
grupos de 10 genes	nivel de c_tau
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79

Tabla 10: grupos de 10 genes:	
grupos de 10 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78

Tabla 10: grupos de 10 genes:	
grupos de 10 genes	nivel de c_tau
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78

Tabla 10: grupos de 10 genes:	
grupos de 10 genes	nivel de c_tau
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78

Tabla 10: grupos de 10 genes:	
grupos de 10 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78

Tabla 10: grupos de 10 genes:	
grupos de 10 genes	nivel de c_tau
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78

Tabla 10: grupos de 10 genes:	
grupos de 10 genes	nivel de c_tau
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78

Tabla 10: grupos de 10 genes:	
grupos de 10 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78

Tabla 10: grupos de 10 genes:	
grupos de 10 genes	nivel de c_tau
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + CXCL 13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78

Tabla 10: grupos de 10 genes:	
grupos de 10 genes	nivel de c_tau
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78

Tabla 11: grupos de 11 genes:	
grupos de 11 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,8
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,8
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,8
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,8
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,8
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,8
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,8

Tabla 11: grupos de 11 genes:	
grupos de 11 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,8
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,8
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79

Tabla 11: grupos de 11 genes:	
grupos de 11 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79

Tabla 11: grupos de 11 genes:	
grupos de 11 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79

Tabla 11: grupos de 11 genes:	
grupos de 11 genes	nivel de c_tau
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79

Tabla 11: grupos de 11 genes:	
grupos de 11 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79

Tabla 11: grupos de 11 genes:	
grupos de 11 genes	nivel de c_tau
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78

Tabla 11: grupos de 11 genes:	
grupos de 11 genes	nivel de c_tau
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78

Tabla 11: grupos de 11 genes:	
grupos de 11 genes	nivel de c_tau
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78

Tabla 11: grupos de 11 genes:	
grupos de 11 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78

Tabla 11: grupos de 11 genes:	
grupos de 11 genes	nivel de c_tau
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78

Tabla 11: grupos de 11 genes:	
grupos de 11 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,77

Tabla 11: grupos de 11 genes:	
grupos de 11 genes	nivel de c_tau
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + IHH + PROM1	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + PROM1	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77

Tabla 11: grupos de 11 genes:	
grupos de 11 genes	nivel de c_tau
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + IHH + PROM1	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + IHH + PROM1	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77

Tabla 12: grupos de 12 genes:	
grupos de 12 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,8

Tabla 12: grupos de 12 genes:	
grupos de 12 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM 1	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,8
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM 1	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM 1	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM 1	0,8
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,8
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,8
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM 1	0,8
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79

Tabla 12: grupos de 12 genes:	
grupos de 12 genes	nivel de c_tau
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79

Tabla 12: grupos de 12 genes:	
grupos de 12 genes	nivel de c_tau
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
.GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79

Tabla 12: grupos de 12 genes:	
grupos de 12 genes	nivel de c_tau
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78

Tabla 12: grupos de 12	
grupos de 12 genes	nivel de c_tau
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78

Tabla 12: grupos de 12	
grupos de 12 genes	nivel de c_tau
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1	0,77

Tabla 12: grupos de 12 genes:	
grupos de 12 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + PRO1 + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + IHH + VEGFA	0,77

Tabla 12: grupos de 12	
grupos de 12 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH + PROM1	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + VEGFA	0,77

Tabla 12: grupos de 12 genes:	
grupos de 12 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + IHH + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76

Tabla 12: grupos de 12 genes:	
grupos de 12 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + PROM1 + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + VEGFA	0,76
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + PROM1 + VEGFA	0,76
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76

Tabla 12: grupos de 12 genes:	
grupos de 12 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
GZMH + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
IFNG + CXCL13 + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
GZMH + CXCL13 + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
IFNG + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + IHH + PROM1	0,75
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
GZMH + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,74
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74

Tabla 12: grupos de 12 genes:	
grupos de 12 genes	nivel de c_tau
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + IHH + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,74
GZMH + CXCL13 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
IFNG + CXCL13 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,74
IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,74
IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,74

Tabla 12: grupos de 12 genes:	
grupos de 12 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,74
GZMH + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,74
GZMH + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73
IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73
IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73

Tabla 12: grupos de 12 genes:	
grupos de 12 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,72
GZMH + IFNG + CXCL13 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,72
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,72
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,72
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,72
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,72
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,72
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,71

Tabla 13: grupos de 13 genes:	
grupos de 13 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,8
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,8

Tabla 13: grupos de 13 genes:	
grupos de 13 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,8
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79

Tabla 13: grupos de 13 genes:	
grupos de 13 genes	nivel de c_tau
CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79

Tabla 13: grupos de 13 genes:	
grupos de 13 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,78
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77

Tabla 13: grupos de 13 genes:	
grupos de 13 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + VEGFA	0,77
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,76
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,75

Tabla 13: grupos de 13 genes:	
grupos de 13 genes	nivel de c_tau
GZMH + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,73

Tabla 14: grupos de 14 genes:	
grupos de 14 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79

Tabla 14: grupos de 14 genes:	
grupos de 14 genes	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + VEGFA	0,79
IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,78
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,77
GZMH + IFNG + CXCL13 + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,74

Tabla 15:	
Grupos principales	nivel de c_tau
GZMH + IFNG + CXCL13 + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,79
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + CXCL9 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + LAG3 + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + TSLP + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + IHH + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1 + VEGFA	0,8
GZMH + IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,8
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN + PROM1	0,8
IFNG + GNLY + ITGAE + CCL5 + PF4 + IL17A + REN	0,79
IFNG + GNLY + ITGAE + PF4 + IL17A + REN	0,78
IFNG + GNLY + PF4 + IL17A + REN	0,78
GNLY + PF4 + IL17A + REN	0,77
GNLY + PF4 + REN	0,75
GNLY + PF4	0,71
GNLY	0,68
UICC	0,52

REIVINDICACIONES

1. Un método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente que comprende una etapa que consiste en determinar el nivel de expresión de un grupo de genes en una muestra obtenida de dicho paciente, en donde dicho grupo de genes comprende al menos 5 genes seleccionados del grupo que consiste en GZMH, IFNG, CXCL13, GNLY, LAG3, ITGAE, CCL5, CXCL9, PF4, IL17A, TSLP, REN, IHH, PROM1 y VEGFA.
2. El método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente según la reivindicación 1, en donde dicho grupo de genes comprende 6 genes seleccionados del grupo que consiste en GZMH, IFNG, CXCL13, GNLY, LAG3, ITGAE, CCL5, CXCL9, PF4, IL17A, TSLP, REN, IHH, PROM1 y VEGFA.
3. El método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente según la reivindicación 1, en donde dicho grupo de genes comprende 7 genes seleccionados del grupo que consiste en GZMH, IFNG, CXCL13, GNLY, LAG3, ITGAE, CCL5, CXCL9, PF4, IL17A, TSLP, REN, IHH, PROM1 y VEGFA.
4. El método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente según la reivindicación 1, en donde dicho grupo de genes comprende 8 genes seleccionados del grupo que consiste en GZMH, IFNG, CXCL13, GNLY, LAG3, ITGAE, CCL5, CXCL9, PF4, IL17A, TSLP, REN, IHH, PROM1 y VEGFA.
5. El método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente según la reivindicación 1, en donde dicho grupo de genes comprende 9 genes seleccionados del grupo que consiste en GZMH, IFNG, CXCL13, GNLY, LAG3, ITGAE, CCL5, CXCL9, PF4, IL17A, TSLP, REN, IHH, PROM1 y VEGFA.
6. El método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente según la reivindicación 1, en donde dicho grupo de genes comprende 10 genes seleccionados del grupo que consiste en GZMH, IFNG, CXCL13, GNLY, LAG3, ITGAE, CCL5, CXCL9, PF4, IL17A, TSLP, REN, IHH, PROM1 y VEGFA.
7. El método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente según la reivindicación 1, en donde dicho grupo de genes comprende 11 genes seleccionados del grupo que consiste en GZMH, IFNG, CXCL13, GNLY, LAG3, ITGAE, CCL5, CXCL9, PF4, IL17A, TSLP, REN, IHH, PROM1 y VEGFA.
8. El método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente según la reivindicación 1, en donde dicho grupo de genes comprende 12 genes seleccionados del grupo que consiste en GZMH, IFNG, CXCL13, GNLY, LAG3, ITGAE, CCL5, CXCL9, PF4, IL17A, TSLP, REN, IHH, PROM1 y VEGFA.
9. El método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente según la reivindicación 1, en donde dicho grupo de genes comprende 13 genes seleccionados del grupo que consiste en GZMH, IFNG, CXCL13, GNLY, LAG3, ITGAE, CCL5, CXCL9, PF4, IL17A, TSLP, REN, IHH, PROM1 y VEGFA.
10. El método de predicción del desenlace de un cáncer en un paciente según la reivindicación 1, en donde dicho grupo de genes comprende 14 genes seleccionados del grupo que consiste en GZMH, IFNG, CXCL13, GNLY, LAG3, ITGAE, CCL5, CXCL9, PF4, IL17A, TSLP, REN, IHH, PROM1 y VEGFA.
11. Uso de un kit que comprende medios para medir específicamente el nivel de expresión de al menos cinco genes en una muestra biológica para realizar el método según la reivindicación 1, en donde dichos al menos cinco genes se seleccionan del grupo que consiste en GZMH, IFNG, CXCL13, GNLY, LAG3, ITGAE, CCL5, CXCL9, PF4, IL17A, TSLP, REN, IHH, PROM1 y VEGFA.

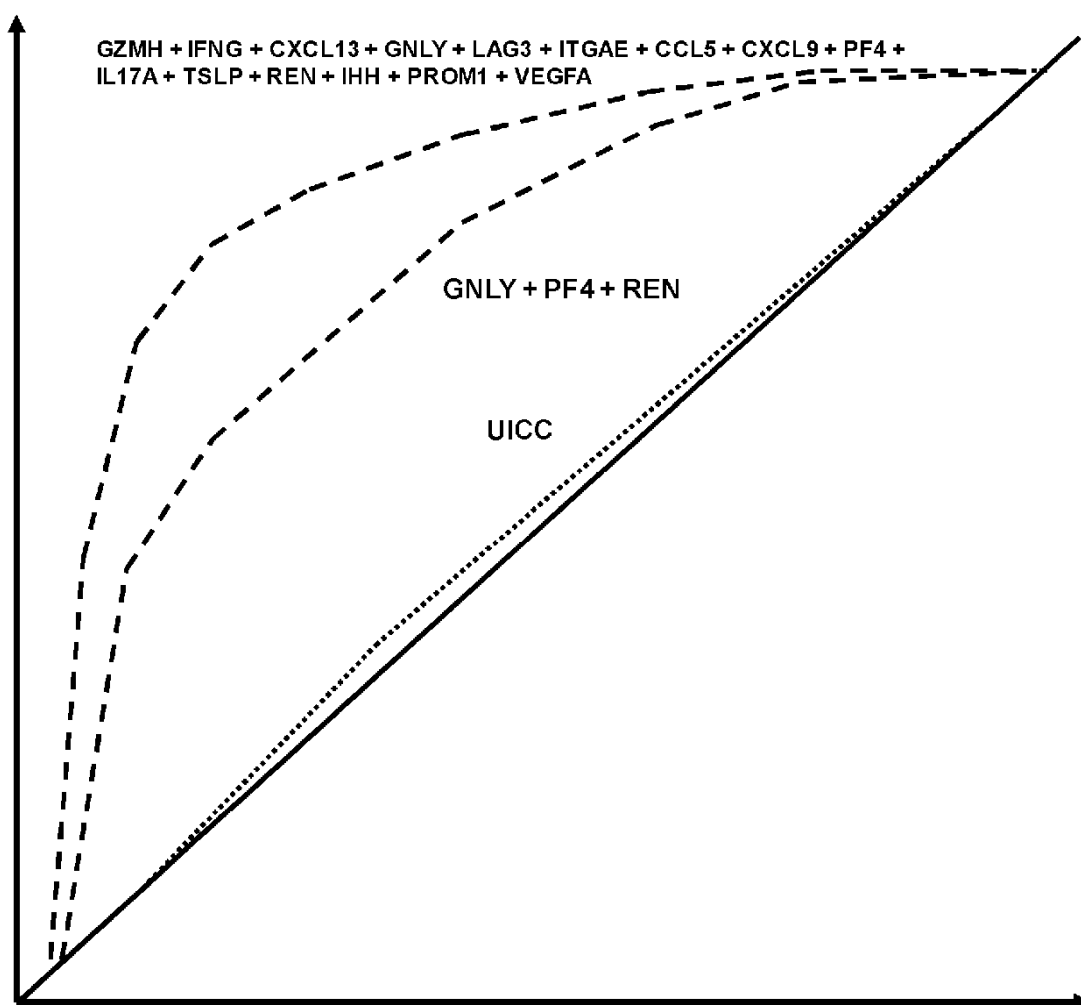


Figura 1