タンパク質コード: 配列番号:131, 355, (A,GCC) (V,GTC)

SNP供給源: dbSNP
母集団（対立遺伝子，数）: no_pop（C,-|T,-）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:131, 355, (A,GCC) (V,GTC)

内容 （配列番号:291）:
GGTTTTGGAGACCCCGAGTCAGAACATCTTCTTCTCCCCTGTGAGTGTCTCCACTTCCCTGGCCATGCTCTCCCTTGGGG
CCCACTCAGTCACCAAGACC
S
AGATTCTCCAGGGCCTGGGCTTCAACCTCACACACACACCAGAGTCTGCCATCCACCAGGGCTTCCAGCACCTGGTTCAC
TCACTGACTGTTCCCAGCAA
Celera SNP ID: hCV2786233
SNP位置転写物: 352
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）: 白人（G,4|C,22） アフリカ系アメリカ人（G,3|C,25） 全体（G,7|C,47）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:131, 118, (Q,CAG) (E,GAG)

SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）: 白人（G,6|C,26） アフリカ系アメリカ人（G,3|C,35） 全体（G,9|C,61）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:131, 118, (Q,CAG) (E,GAG)

SNP供給源: dbSNP
母集団（対立遺伝子，数）: no_pop（G,-|C,-）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:131, 118, (Q,CAG) (E,GAG)

内容 （配列番号:292）:
CCCAGGCGAGGATCAACAGCCATGTGAAAAAGAAGACCCAAGGGAAGGTTGTAGACATAATCCAAGGCCTTGACCTTCTG
ACGGCCATGGTTCTGGTGAA
Y
CACATTTTCTTTAAAGCCAAGTGGGAAAAGCCCTTTCACCCTGAATATACAAGAAAGAACTTCCCATTCCTGGTGGGCGA
GCAGGTCACTGTGCATGTCC
Celera SNP ID: hCV2786234
SNP位置転写物: 687
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）: 白人（C,28|T,8） アフリカ系アメリカ人（C,30|T,2） 全体（C,58|T,10）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:131, 229, (N,AAC) (N,AAT)

GGGACAGGGACAGTGCCAGG
Celera SNP ID:　hCV25764663
SNP位置転写物:　3711
SNP供給源:　Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（C,36）　アフリカ系アメリカ人（C,37|T,1）　全体（C,73|T,1）
SNP型:　ミスセンス変異
タンパク質コード:　配列番号:132，1134，（P,CCG）　（L,CTG）

内容　（配列番号:339）：
TTTCAATGTGGAAGATCTAGCAAATGCTTTGGAAAGGCCTGTGAATGGTGTGCTCCCCTCTGTGTCTCCATGGCCTGCAGTCCATGCTCTTGTGAAGGAG
K
TTGGGACACTGGCTGTTGCCCGGTGTTTCAGCACTTTCAGTTTAGGGGAAATGTGAATCAATAGGTATGATCCATTTCTAATCAATTTGGCCTTCTGCTG
Celera SNP ID:　hCV25951668
SNP位置転写物:　4825
SNP供給源:　Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（T,2）　アフリカ系アメリカ人（G,4|T,24）　全体（G,4|T,26）
SNP型:　UTR 3
タンパク質コード:　配列番号:132，無し

SNP供給源:　dbSNP
母集団（対立遺伝子，数）：no_pop（G,-|T,-）
SNP型:　UTR 3
タンパク質コード:　配列番号:132，無し

遺伝子番号:　5
Celera遺伝子:　hCG1645306 - 84000314729339
Celera転写物:　hCT1645433 - 84000314729340
公開転写物登録番号:
Celeraタンパク質:　hCP1630810 - 197000069431018
公開タンパク質登録番号:
遺伝子記号:
タンパク質名:
Celeraゲノム軸:　GA_x5YUV32W706（21409402..21466487）
染色体:　Chr4
OMIM番号:
OMIM情報:

転写配列　（配列番号:7）：
ATGGCTTGGACCAGGGCTGAGCAGTGTGGGTGGCAAGAAGCGTGTTCAGATTTGGAGGTTTTGCCAATGGGACCTGCTGAYGAAAAGCCCTCTCCATTGA
ATGGTAGTAGGAGGGAGAGGAGAAAGAACATTCCRTCTGACTTTGAGCCAGGACTTGAAGCAGACACTATGGCTCATGCA

GGGTCTCTGCGGCACTCTTC
Y
GCCTGGTGACTGACACCTTGGAAATGAAGTTTATGACGTCATCGTTGCGGCTGGCCAATAGAAAAAGCTCCCGCGGAGAG
GTGTTCCTTCCCCTTCGACT
Celera SNP ID: hCV27839018
SNP位置転写物: 838
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（T,38） アフリカ系アメリカ人（C,1|T,27） 全体（C,1|T,65）
SNP型: UTR 5
タンパク質コード: 配列番号:141，無し

内容 （配列番号:475）：
AGAACAGCCACAAGAAGGGGGCCAAGTTGGCAGCGCTCCAGGGCAGTGTTACCAGTGCCCATCAGGTGCCTGCCGTCTCT
TCTGTGTCACACACAGCCCT
S
TATACTCCTCCACCTGAGATACCTACCACTGTCCTCAACATTCCCCACCCATCAGTCATTTCCTCTCCACTTCTCAAGTC
CTTGCACTCTGCTGGACCCC
Celera SNP ID: hCV11917041
SNP位置転写物: 2451
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（G,26|C,2） アフリカ系アメリカ人（G,16） 全体（G,42|C,2）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:141，226，（L,CTC） （L,CTG）

SNP供給源: HGBASE;dbSNP
母集団（対立遺伝子，数）：９４の非関連CEPH個体由来のプールされたゲノムDNA（白人）．研究された染色体数に関連する集団のサイズ（G,-|C,-）；９４の非関連CEPH個体由来のプールされたゲノムDNA（白人）．研究された染色体数に関連する集団のサイズ（G,-|C,-） no_pop（G,-|C,-）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:141，226，（L,CTC） （L,CTG）

遺伝子番号: 12
Celera遺伝子: hCG1774917 - 30000675591935
Celera転写物: hCT1813575 - 30000675591937
公開転写物登録番号: NM_006250
Celeraタンパク質: hCP1710691 - 30000675592870
公開タンパク質登録番号: NP_006241
遺伝子記号: PRH2
タンパク質名: プロリンリッチタンパク質 HaeIII サブファミリー 2;Pr
Celeraゲノム軸: GA_x5YUV32W45C（1338537..1356150）
染色体: Chr12
OMIM番号: 168730
OMIM情報: プロリンリッチタンパク質，HaeIII サブファミリー，1;PRH1

S
GGAGCTGAACAAACCCTGGGCTGCTCAGGATGGGCCCAAGCCCGGTTTAGGCTTGCAGCCACGGTACGGCAGCCGGAGCG
CCCCCAAGCCCCAAGTGGCC
Celera SNP ID: hCV25986116
SNP位置転写物: 772
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（G,38） アフリカ系アメリカ人（G,29|C,1） 全体（G,67|C,1）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:143，99，（R,CGG） （G,GGG）

SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（G,40） アフリカ系アメリカ人（G,29|C,1） 全体（G,69|C,1）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:143，99，（R,CGG） （G,GGG）

内容 （配列番号:493）：
GCTGAACAAACCCTGGGCTGCTCAGGATGGGCCCAAGCCCGGTTTAGGCTTGCAGCCACGGTACGGCAGCCGGAGCGCCC
CCAAGCCCCAAGTGGCCGTG
M
CATCCTGCCCCTCCACTCCCGACTATGAGAACATGTTTGTGGGCCAGCCAGCAGCCGAGCACCAGTGGGATGAACAAGGG
GCTCACCCTTCAGAGGACAA
Celera SNP ID: hCV25987104
SNP位置転写物: 876
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（C,38） アフリカ系アメリカ人（A,1|C,29） 全体（A,1|C,67）
SNP型: UTR 3
タンパク質コード: 配列番号:143，無し

SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（C,40） アフリカ系アメリカ人（A,1|C,27） 全体（A,1|C,67）
SNP型: UTR 3
タンパク質コード: 配列番号:143，無し

遺伝子番号: 14
Celera遺伝子: hCG1777349 - 64000126903191
Celera転写物: hCT1816085 - 64000126903192
公開転写物登録番号:
Celeraタンパク質: hCP1705718 - 197000064924261
公開タンパク質登録番号:
遺伝子記号:
タンパク質名:
Celeraゲノム軸: GA_x5YUV32VV2M（7816928..7938008）

SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:148，131，（N,AAC） （N,AAT）

SNP供給源: HGBASE;dbSNP
母集団（対立遺伝子，数）：no_pop（C,-|T,-） ;no_pop（C,-|T,-） CEPH（C,27|T,65） JBIC-対立遺伝子（C,712|T,780） 全体（C,739|T,845）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:148，131，（N,AAC） （N,AAT）

内容 （配列番号:542）：
CCATGACCAGCGCCTCAAGTTTTGGGACATGGCCCAGCTGCGAGCTGTGGTGGTGGATGACTACCGTCGGCGCAAAAAAAAGGGAGGACCACTGCGGGCT
Y
TGAGCAGCAAGACTTGGAGCACCGATGACTTCTTCGCAGGACTGAGGGAAGAGGGAGAAGACTCCATGGCTCAGGAAGAAAAGGAGGAGACTGGGGATGA
Celera SNP ID: hCV32319079
SNP位置転写物: 1142
SNP供給源: HGBASE
母集団（対立遺伝子，数）：no_pop（C,-|T,-）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:148，353，（L,CTG） （L,TTG）

内容 （配列番号:543）：
CGGAGTGCCAGGCTACTCCTCCCGCAGTGTGGGTGGTTCCGAGGCTGACTACCCTG
M
GGCGGCGCGGCTCGCAGTCCTTCTCAGCATGGACCGCACTTGTGAGGAGAGGCCCGCTGAGGATGGGAGCGACGAGGAGGACCCAGACTCCATGGAAGCC
Celera SNP ID: hCV25770865
SNP位置転写物: 57
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（C,38） アフリカ系アメリカ人（A,5|C,29） 全体（A,5|C,67）
SNP型: UTR 5
タンパク質コード: 配列番号:148，無し

SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（C,40） アフリカ系アメリカ人（A,5|C,33） 全体（A,5|C,73）
SNP型: UTR 5
タンパク質コード: 配列番号:148，無し

内容 （配列番号:544）：
GATCCAGCCAAAAAGCTGCTGCTGACAGCCAGCGGGGATGGCTGCCTTGGCATCTTCAACATTAAGAGGCGTCGGTTTGAGCTGCTCTCAGAACCTCAGT

SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:150，131，（N,AAC） （N,AAT）

SNP供給源: HGBASE;dbSNP
母集団（対立遺伝子，数）：no_pop（C,-|T,-） ;no_pop（C,-|T,-） CEPH（C,27|T,65） JBIC-対立遺伝子（C,712|T,780） 全体（C,739|T,845）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:150，131，（N,AAC） （N,AAT）

内容 （配列番号:572）：
CCATGACCAGCGCCTCAAGTTTTGGGACATGGCCCAGCTGCGAGCTGTGGTGGTGGATGACTACCGTCGGCGCAAAAAAAAGGGAGGACCACTGCGGGCT
Y
TGAGCAGCAAGACTTGGAGCACCGATGACTTCTTCGCAGGACTGAGGGAAGAGGGAGAAGACTCCATGGCTCAGGAAGAAAAGGAGGAGACTGGGGATGA
Celera SNP ID: hCV32319079
SNP位置転写物: 1215
SNP供給源: HGBASE
母集団（対立遺伝子，数）：no_pop（C,-|T,-）
SNP型: UTR 3
タンパク質コード: 配列番号:150，無し

内容 （配列番号:573）：
CGGAGTGCCAGGCTACTCCTCCCGCAGTGTGGGTGGTTCCGAGGCTGACTACCCTG
M
GGCGGCGCGGCTCGCAGTCCTTCTCAGCATGGACCGCACTTGTGAGGAGAGGCCCGCTGAGGATGGGAGCGACGAGGAGGACCCAGACTCCATGGAAGCC
Celera SNP ID: hCV25770865
SNP位置転写物: 57
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（C,38） アフリカ系アメリカ人（A,5|C,29） 全体（A,5|C,67）
SNP型: UTR 5
タンパク質コード: 配列番号:150，無し

SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（C,40） アフリカ系アメリカ人（A,5|C,33） 全体（A,5|C,73）
SNP型: UTR 5
タンパク質コード: 配列番号:150，無し

内容 （配列番号:574）：
GATCCAGCCAAAAAGCTGCTGCTGACAGCCAGCGGGGATGGCTGCCTTGGCATCTTCAACATTAAGAGGCGTCGGTTTGAGCTGCTCTCAGAACCTCAGT

タンパク質コード:　　　　　配列番号:151, 無し

内容　　　　　　　（配列番号:581）:
CTGAGGCAGGGAACCCGTAACAAGAAGCTTAAGAAGAAGGATAAAGGGAAGCTGGAAGAGAAGAAACCTCCTGAGGCTGA
CATGAATATTTTTGAAGACA
Y
TGGGGATTACGTACCCTCCACAACCAAGACACCTCGGGACAAGGAGCGGGAGAGATATCGGGAACGGGAGCGTGATCGGG
AAAGAGACAGAGACCGTGAC
Celera SNP ID:　　　　　hCV25767751
SNP位置転写物:　1076
SNP供給源:　　　　　　　Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（C,1|T,37） アフリカ系アメリカ人（T,36） 全体（C,1|T,73）
SNP型:　　　　　　　　ミスセンス変異
タンパク質コード:　　　　　配列番号:151, 322, （T,ACT）　（I,ATT）

内容　　　　　　　（配列番号:582）:
GAAGAGGAAGAAGATGGAAGCTGATGGGGTTGAAGTCAAAAGACCAAAATACTAATCACTAGTTACAACCAGAGATGCTC
CACAAGGATATGCTCCCCAC
K
GTTTTCTTTCTACAATTTCCAAAGGTTGCAAGATGTTTTTTTGTGGATGAATATAAAATTTTATTGTGTAATTACTTGGT
TCCATTAAAATTGGTTAACT
Celera SNP ID:　　　　　hCV8737877
SNP位置転写物:　1831
SNP供給源:　　　　　　　Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（G,9|T,29） アフリカ系アメリカ人（G,4|T,32） 全体（G,13|T,61）
SNP型:　　　　　　　　UTR 3
タンパク質コード:　　　　　配列番号:151, 無し

SNP供給源:　　　　　　　HGBASE;dbSNP
母集団（対立遺伝子, 数）: no_pop（G,-|T,-） ;no_pop（G,-|T,-）
SNP型:　　　　　　　　UTR 3
タンパク質コード:　　　　　配列番号:151, 無し

内容　　　　　　　（配列番号:583）:
AGAGGAAGAAGATGGAAGCTGATGGGGTTGAAGTCAAAAGACCAAAATACTAATCACTAGTTACAACCAGAGATGCTCCA
CAAGGATATGCTCCCCACTG
W
TTTCTTTCTACAATTTCCAAAGGTTGCAAGATGTTTTTTTGTGGATGAATATAAAATTTTATTGTGTAATTACTTGGTTC
CATTAAAATTGGTTAACTTG
Celera SNP ID:　　　　　hCV25986202
SNP位置転写物:　1833
SNP供給源:　　　　　　　Applera

SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:160，1902，（K,AAA） （E,GAA）

SNP供給源: dbSNP
母集団（対立遺伝子，数）：no_pop（G,-|A,-）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:160，1902，（K,AAA） （E,GAA）

内容 （配列番号:694）：
AAATATGCACAACTTCTGGGAAGCTGGACTTATACTAAGACTGTGTCCAGACCGTCCTATGTGGTCAAGCCCCTGCACCCCTTCACTGAGTACATTTTCC
R
AGTGGTTTGGATCTTCACAGCGCAGCTGCAGCTCTACTCCCCTCCAAGTCCCAGTTACAGGACTCATCCTCATGGAGTTCCTGAAACTGCACCTTTGATT
Celera SNP ID: hCV2100197
SNP位置転写物: 705
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（G,34|A,4） アフリカ系アメリカ人（G,34|A,2） 全体（G,68|A,6）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:160，167，（Q,CAA） （R,CGA）

SNP供給源: Celera;HGBASE;dbSNP
母集団（対立遺伝子，数）：白人（G,282|A,22） 中国人（G,55|A,3） 日本人（G,17|A,1） アフリカ人（G,97|A,3） no_pop（G,7|A,2） 全体（G,458|A,31）;白人（G,282|A,22） 中国人（G,55|A,3） 日本人（G,17|A,1） アフリカ人（G,97|A,3） no_pop（G,7|A,2） 全体（G,458|A,31）no_pop（G,-|A,-） ;白人（G,282|A,22） 中国人（G,55|A,3） 日本人（G,17|A,1） アフリカ人（G,97|A,3） no_pop（G,7|A,2） 全体（G,458|A,31）no_pop（G,-|A,-）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:160，167，（Q,CAA） （R,CGA）

遺伝子番号: 24
Celera遺伝子: hCG1811669 - 30000719127686
Celera転写物: hCT1953788 - 30000719127703
公開転写物登録番号: NM_002944
Celeraタンパク質: hCP1761368 - 30000719127629
公開タンパク質登録番号: NP_002935
遺伝子記号: ROS1
タンパク質名: v-ros UR2 肉腫ウイルスオンコジーンホモログ 1（鳥類）;MCF3;ROS
Celeraゲノム軸: GA_x54KRFTF0F9（53222078..53371624）
染色体: Chr6
OMIM番号: 165020
OMIM情報: V-ROS 鳥類 UR2 肉腫ウイルスオンコジーンホモログ 1;ROS1

SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:161，2240，（K,AAG） （N,AAT）

SNP供給源: HGBASE;dbSNP
母集団（対立遺伝子，数）：no_pop（G,-|T,-） ;no_pop（G,-|T,-） CEPH（G,-|T,92） 全体（T,92）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:161，2240，（K,AAG） （N,AAT）

内容 （配列番号:706）：
TAAGTGGAACCATGCTGAATGTACCTGAGCTGCAGAGTGCTATGAAATACAAGGTTTCTGTGAGAGCAAGTTCTCCAAAGAGGCCAGGCCCCTGGTCAGA
R
CCCTCAGTGGGTACTACCCTGGTGCCAGCTAGTGAACCACCATTTATCATGGCTGTGAAAGAAGATGGGCTTTGGAGTAAACCATTAAATAGCTTTGGCC
Celera SNP ID: hCV25654445
SNP位置転写物: 2191
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（G,35|A,3） アフリカ系アメリカ人（G,33|A,1） 全体（G,68|A,4）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:161，662，（E,GAA） （E,GAG）

SNP供給源: dbSNP
母集団（対立遺伝子，数）：no_pop（G,-|A,-）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:161，662，（E,GAA） （E,GAG）

内容 （配列番号:707）：
CCTGAAGTCACTCATATTTTCTTGAACATAAGTGGAACCATGCTGAATGTACCTGAGCTGCAGAGTGCTATGAAATACAAGGTTTCTGTGAGAGCAAGTT
Y
TCCAAAGAGGCCAGGCCCCTGGTCAGAGCCCTCAGTGGGTACTACCCTGGTGCCAGCTAGTGAACCACCATTTATCATGGCTGTGAAAGAAGATGGGCTT
Celera SNP ID: hCV25654446
SNP位置転写物: 2163
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（C,36|T,2） アフリカ系アメリカ人（C,38） 全体（C,74|T,2）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:161，653，（S,TCT） （F,TTT）

内容 （配列番号:708）：
CCAGAGAACCCCAGAATATTTATATTACCAAGTGGAAAATGCTGCAACAAGAATGAAGTTGTGGTGGAATTTAGGTGGAA

SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:161, 145, （T,ACT） （P,CCT）

内容 （配列番号:718）:
ACAAGCTTTCAAGCATTCAAAGGTCTAAATGAAAAAGGCTAAGTATTATTTCAAAAGGCAAGTATATCCTAATATAGCAAAACAAACAAAGCAAAATCCA
W
CAGCTACTCCTCCAATTGAAGTGATGAAGCCCAAATAATTCATATAGCAAAATGGAGAAAATTAGACCGGCCATCTAAAAATCTGCCATTGGTGAAGTGA
Celera SNP ID: hCV27833279
SNP位置転写物: 106
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（T,38） アフリカ系アメリカ人（A,3|T,31） 全体（A,3|T,69）
SNP型: UTR 5
タンパク質コード: 配列番号:161, 無し

SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（A,1|T,37） アフリカ系アメリカ人（A,2|T,34） 全体（A,3|T,71）
SNP型: UTR 5
タンパク質コード: 配列番号:161, 無し

内容 （配列番号:719）:
GACCCAGTGCTGGGCTCAAGAACCCGACCAAAGACCTACTTTTCATAGAATTCAGAACCAACTTCAGTTATTCAGAAATTTTTTCTTAAATAGCATTTAT
M
AGTGCAGAGATGAAGCAAACAACAGTGGAGTCATAAATGAAAGCTTTGAAGGTGAAGATGGCGATGTGATTTGTTTGAATTCAGATGACATTATGCCAGT
Celera SNP ID: hCV11315170
SNP位置転写物: 6887
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（A,33|C,7） アフリカ系アメリカ人（A,35|C,3） 全体（A,68|C,10）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:161, 2228, （K,AAG） （Q,CAG）

SNP供給源: Celera;HGBASE;dbSNP
母集団（対立遺伝子, 数）: no_pop（A,4|C,9） 全体（A,4|C,9）;no_pop（A,4|C,9） 全体（A,4|C,9）no_pop（A,-|C,-） ;no_pop（A,4|C,9） 全体（A,4|C,9）no_pop（A,-|C,-）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:161, 2228, （K,AAG） （Q,CAG）

ATCCTTATTTTCTCAAAGAC
Celera SNP ID: hCV25992571
SNP位置転写物: 1704
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（G,24|A,16） アフリカ系アメリカ人（G,28|A,10） 全体（G,52|A,26）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:163，528，（T,ACA） （T,ACG）

SNP供給源: HGBASE;dbSNP
母集団（対立遺伝子，数）：no_pop（G,-|A,-） ;no_pop（G,-|A,-） ELY（G,534|A,387） JBIC-対立遺伝子（G,711|A,599） 全体（G,1245|A,986）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:163，528，（T,ACA） （T,ACG）

内容 （配列番号:737）：
AGCAGGTCTCTCCTTGCAGCACAAGAAAACAGCTCCAAGACCAGGAAATCCGAGCCGAGCTGAACAAGCACTTCGGTCATCCCAGTCAAGCTGTTTTTGA
Y
GACGAAGCAGACAAGACCGGTGAACTGAGGGACAGTGATTTCAGTAATGAACAATTCTCCAAACTACCTATGTTTATAAATTCAGGACTAGCCATGGATG
Celera SNP ID: hCV25996781
SNP位置転写物: 1545
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（C,40） アフリカ系アメリカ人（C,36|T,2） 全体（C,76|T,2）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:163，475，（D,GAC） （D,GAT）

遺伝子番号: 26
Celera遺伝子: hCG1811770 - 84000314774064
Celera転写物: hCT1954499 - 84000314774065
公開転写物登録番号: NM_013261
Celeraタンパク質: hCP1762408 - 197000069385191
公開タンパク質登録番号: NP_037393
遺伝子記号: PPARGC1A
タンパク質名: ペルオキシソーム増殖性活性化レセプター，γ，活性化補助因子 1，α;LEM6;PGC-1（α）;PGC1;PGC1A;PPARGC1
Celeraゲノム軸: GA_x5YUV32W339（14364208..14474181）
染色体: Chr4
OMIM番号: 604517
OMIM情報: ペルオキシソーム増殖性活性化レセプター-γ，活性化補助因子 1;PPARGC1

転写配列 （配列番号:38）：

SNP型: UTR 5
タンパク質コード: 配列番号:171, 無し

内容 （配列番号:829）:
AAGGGGGCCGCCCACAAGGACCTCCACAGGGGCAGTCTCCTCAGTAATCTAGGATTCAATGACAGGAAGTGAATAAGAAG
ATAACAGTGTTTCAAATGCC
K
TGAAACATGGCATCATGCTCTAACTTCAGTATACCAATAAAACAATCAGCTTGCAATTTCTGCTGGTGGTGTCTCTTTCT
GAGTGTTTGGGACTCTAGAA
Celera SNP ID: hCV32340107
SNP位置転写物: 1051
SNP供給源: HGBASE
母集団（対立遺伝子, 数）: no_pop（G,-|T,-）
SNP型: UTR 3
タンパク質コード: 配列番号:171, 無し

内容 （配列番号:830）:
AGGCGAGCAGGGTGCGGGAGAGCCCCTTGCAGAAGACGCCGTACGAGGTTCTCCAGCATTTGGCTCAAGGCCCCAAGGGC
ACATGTGACAAGAAGGCGCC
R
GCTTTTTAAACATTGGAAGTTCTTCTGTGTCAGTTCTGTGACAGAACATTTACTTAACACATCATGAAGGCTAGTTTGGA
TGTGGAGGGGAATAGACTCC
Celera SNP ID: hCV1326554
SNP位置転写物: 256
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（G,27|A,5） アフリカ系アメリカ人（G,16|A,18） 全体（G,43|A,23）
SNP型: UTR 5
タンパク質コード: 配列番号:171, 無し

SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（G,20|A,2） アフリカ系アメリカ人（G,16|A,16） 全体（G,36|A,18）
SNP型: UTR 5
タンパク質コード: 配列番号:171, 無し

SNP供給源: Celera;HGBASE;dbSNP
母集団（対立遺伝子, 数）: no_pop（G,3|A,3） 全体（G,3|A,3）;no_pop（G,3|A,3） 全体（G,3|A,3）no_pop（G,-|A,-） ;no_pop（G,3|A,3） 全体（G,3|A,3）no_pop（G,-|A,-）
SNP型: UTR 5
タンパク質コード: 配列番号:171, 無し

遺伝子番号: 31

SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:182，457，（K,AAA） （T,ACA）

SNP供給源: dbSNP
母集団（対立遺伝子，数）：no_pop（A,-|C,-）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:182，457，（K,AAA） （T,ACA）

内容 （配列番号:899）：
CCTACGTCCCCTGCCAACCCCTGCCGCTCTCCTCTATTTTGTACACTTTATCATTAAAGGATTTGAAATGAATGGAGGAA
TAAGTTTTTTTCATCTGTAA
Y
TTGGAAGCCAAGTCAGTAACAAAATGAAACCAGTAAAGCATCTGTTGACCACCAGTAACAAATCGGCAAATGTTCCAGCA
TTAACTACTAAAAAAGGACT
Celera SNP ID: hCV25768843
SNP位置転写物: 490
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（T,38） アフリカ系アメリカ人（C,5|T,33） 全体（C,5|T,71）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:182，1，（L,CTT） （F,TTT）

遺伝子番号: 39
Celera遺伝子: hCG2039997 - 30000719132136
Celera転写物: hCT2259732 - 30000719132147
公開転写物登録番号: NM_024850
Celeraタンパク質: hCP1873855 - 30000719132133
公開タンパク質登録番号: NP_079126
遺伝子記号: FLJ21458
タンパク質名: 仮想タンパク質 FLJ21458
Celeraゲノム軸: GA_x5YUV32VSPV（336693..400277）
染色体: Chr5
OMIM番号:
OMIM情報:

転写配列 （配列番号:57）：
GACAGCTGTGTCTCGATGGAGTAGACTCTCAGAACAGCGCAGTTTGCCCTCCGCTCACGCAGAGCCTCTCCGTGGCTTCC
GCACCTTGAGCATTAGGCCA
GTTCTCCTCTTCTCTCTAATCRATCCGTCACCTCTCCTGTCATCCGTTTCCATGCCGTGAGGTCCATTCACAGAACACAT
CCATGGCTCTCATGCTCAGT
TTGGTTCTGAGTCTCCTCAAGCTGGGATCAGGGCAGTGGCAGGTGTTTGGGCCAGACAAGCCTGTCCAGGCCTTGGTGGG
GGAGGACGCAGCATTCTCCT
GTTTCCTGTCTCCTAAGACCAATGCAGAGGCCATGGAAGTGCGGTTCTTCAGGGGCCAGTTCTCTAGCGTGGTCCACCTR
TACAGGGACGRGAAGGACCA
GCCATTTATGCAGATGCCACAGTATCAAGGCAGGACAAAACTGGTGAAGGATTCTATTGCGGAGGGGCGCATCTCTCTGA

Celera SNP ID: hCV16093418
SNP位置転写物: 548
SNP供給源: HGBASE;dbSNP
母集団（対立遺伝子，数）: no_pop（G,-|A,-） ;no_pop（G,-|A,-）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:186，183，（E,GAA） （G,GGA）

内容 （配列番号:917）:
GATCGTGAATCGGGGAGCCCTCAGAATCACAGCAGTTTCAGAGATACTCCAGGGGTGCCTTGTGATCAGAACGAATTTATAGACAAAAAAGGTTCTACCC
R
TCACCTACAGATAATGGTGAGTAAATACAAGAACAATGTTCTGCTGAAAGGATTAGAAGCCATCAATGACTATCACTTCAGCATAATTAATTCCTTACTG
Celera SNP ID: hCV16133633
SNP位置転写物: 107
SNP供給源: HGBASE;dbSNP
母集団（対立遺伝子，数）: no_pop（G,-|A,-） ;no_pop（G,-|A,-）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:186，36，（H,CAT） （R,CGT）

内容 （配列番号:918）:
TTGTGATCAGAACGAATTTATAGACAAAAAAGGTTCTACCCATCACCTACAGATAATGGTGAGTAAATACAAGAACAATGTTCTGCTGAAAGGATTAGAA
R
CCATCAATGACTATCACTTCAGCATAATTAATTCCTTACTGATCAATGATTTAAAACTTAATTCAACAAGGAGAGACGAATATGACAAAATTCAGATTGC
Celera SNP ID: hCV11334273
SNP位置転写物: 166
SNP供給源: Celera;dbSNP
母集団（対立遺伝子，数）: no_pop（G,1|A,1） 全体（G,1|A,1）;no_pop（G,1|A,1） 全体（G,1|A,1）no_pop（G,-|A,-）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:186，56，（T,ACC） （A,GCC）

遺伝子番号: 42
Celera遺伝子: hCG2041572 - 209000073586393
Celera転写物: hCT2346803 - 209000073586394
公開転写物登録番号:
Celeraタンパク質: hCP1911439 - 232000171425859
公開タンパク質登録番号:
遺伝子記号:
タンパク質名:
Celeraゲノム軸: GA_x5YUV32W46Y（73667678..73701411）
染色体: Chr12

OMIM番号:
OMIM情報:

転写配列 （配列番号:61）:
CCAACATTATTTTTGTGCAGATTTCAATTCATGCTGCACTCATCCTGGGGGCAAAAGTTAAAGGTTTTCTAAAAAGCTAM
TTAGTGAATGTCTTAGTTAA
TGGAAAAGAAAATAAGTCAATCCTTTTTTTTCTAACCTTGAAGTTGCAAAGATTGACAATGAACTCTGTAATGGTGCATT
CTCCTCTTGTGTGGTTTTTG
AAAGCTGAGTTATCCTTCCTGTAATGATTCTGCACCTGCAAACTATACGTGGCTTCCTCCAGGCAGTAAATCTACAGCCC
AGGCTCCCTGCATCTTATGG
CTCCAATCACTTTGGATCTCATCGTCGCCTGCACATTGCCATACACAGGGAAGGAGAAGAGATGGAGAAGGCAAAGACTT
TCTGAAAGCCGTGGCTAAAA
GCTGGCATGTGTCACATCAGCTCACATTCCATTGTAGAGACGGGGTTTCACCGTGTTAGCCAGGATGGTCTTGATMTCCT
GACCTCGTGATCCGCCCGCC
TYGGCYTCCCAAAGTGCTRGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCTCCCGGCCTGGCAGGCATTCTTGAGGCAAACGGGAAAT
GGGTGAACGGGAGGAACATT
GGCAGCACTTGTGGTCTGCACCAAGAACTGAATCGAATTTCCATGTGTTATTGAATGTTCACAAAGACCTTGTACAGCGA
GTGTTACTACCTCTGGTCAA
TGATTCAWCTCAAGGCTCAGAAAAGTCAAGTGTCTTGTCCAGGGACACTTAGTCAGAAGTGAATCCAAGGTTTAAGCTCA
AGTCTGCCTAACTCTGAATT
TCACAGCCTTTTGCTACATATGGCGAATAATATATCCCTGAGCACTAAAGGCAGACTCCAAGGATCTTGTCTCTGCAATC
ATCATTCTGGCCATAATTTA
TGAAAAGCAACCCAAAGTATGTGATGTAATAAAAAGTACTATCTATGAGTTTACCCTTCCAAAAATTGAACTGAATTCTG
AGCTCTAAATTTGGAATCAA
AAGAACTTTTCTCTGCACTAATCATTTGGAACATCACTTAAAGAAAACAACGAAAAACTGGTGTCCCCTGAGAGAAAGCA
ATACAAAACATTATGCATAA
AGAAATCCTTCCAAAAAATAAACCAAATCCAGTCAAATCTCTAGTTTTGACTCCTAGCTTACCGGAAATACGTGATGGGA
AAAAAATGAAATGACACCAC
TATGATTCAATCAGCCAAATCCAGCATATGCAAATTTCTACCAGATAAATGGTTTAGTTTCTTCCCCAAACAAATGGCAC
AAGGAAACGGAGGTAAGAAT
GGGATGCTGTTATAGATTTWAAAAGATTTAAGAAAGTATAAACTAAATACACTATGTGCATCCTCTCKGAACGTGCTTCA
AACATATCAAGGGGTCAATG
AGCAGTTTTGAAACAATAAGGGAATTTGAACACTGAATGGTTGTCAGAAGATASTAAGAGATCATTATTAATTTTACTAG
ACATAATGATGTTCTGATTT
TGTTTTTTTTWWWAAAAAAAACAGTGTTATTTCCTTTATAGATACATCATATAGTATTAACTAATGAAATGCTTTGATAT
CTGGAACGTTTAAAAAATAT
TCCCGATGGAGTAAGTGCAAAGAAACAGGTAAGCAAAATGCTGATAATTGCTGAAACACAGGATGTGTACCTGGGGCTTC
ATTTACTATCTCTTCATTTT
CTATTTTGATATTTGTTGGACATTCTCATAAAAAGGAAAGTTATGTTTTATTTTCTCATAAGCTAGTAATGAAATAGCCC
TAMGTAACTGATATTGTAGA
GACAAGAATAGGTGTAATAGAGCTTAAGGTTTTCATTTAAAAAACTATCTGTAGACTTCAATGGATCTTAGGTGGCATCC
ATGCAATAACACTCGTGGAA
CATGCAGGACAGGTGTGGAGCTCCATCTTCACACAGTGACATTTTTTATGCTTCTGTTTTCCCTAAGAGTGGAGTGAGAG
GATGATTATTTTATATCATG
GACTYCTTCCCTGCTATACTTTTTTTAATTATTTTACTTTCACTTCTGGGATACATGTGCTGAGCATGCAGGCTTGTTTA
CATAGGTATACATCTGCCAT
GGTGGTTTGCTGCACCTATCAACCCATCATACAGGTTTTAAGCCCTGCATGCATTAGGTATTCRCCCTAATGCTCTCCCT
CGCCTTTCCCCCCACCCCCT
GATAGCCCCCAGTGAGTCATATTCCCCTCCCTGTGTCCATGTGTTCTCATTGTTCAACTCCCATTTATGAGTGAGAATAT

GTGGTGTTTAGTTTTCTGTT
CCTGTGTTAGTTTGCTGAGAATGATGTTTTCCAGCTTCATCCATGTCCCTGAAAAGGACATGAGCTCATTCTTTTTTATG
GCTGCATAGTATTCCACGGT
GTTATATGTGCCACATTTTCTTAATCCAGTCTGTCATTGATGGACATTTGGGTTGTTTCCAAGTCTTTGCTATTGTAAAT
AGTGCTGCAATAAACATAYG
TGTGCATGTGTCTTTGTAGTAGAATGATTTATAATCCTTTGGGTATATGCCCAGTAATGGGACTGATGGGTCAAATGGTA
TTTCTGGTTCTAGATCCTTG
AGGAATTGCCACACTGTCTTCCACAATGGTTGAACTAATTTATACTCCCACCAACAGGGTAAAAGCATTCCTATTTCTCC
ACATCCTCTCCAGCATCTGT
TGTTTCCAAATGTTTTAATGATTGCCATTCCACCTGGCGTGAGATGGTATCTCATTGTGGTTTTGATTTTCRTTTCTCTA
ATGACCAGTGATGATAAGCT
TTTTTTCATATGTTTSTTGGCCACATAAATGTCTTCTTTTGACTTTTATGTGGAAACAAATTTAACTGCACAGAGAGGTG
AAAATTAATTAATAACTTTT
AAAGTAATTCCCTAAGTTTCTAAGGATCTATATGTTTCCATCTGACTTTATTTTATTTAAGCTCTTGATTGATGCTGCAT
TTGGAGCAGGTTCATGAACA
TGAATAGAGTTAATCTGGGACAGATTTCCCTCATTTGATTTTTTCACTGTTTCCATCACAGAACTTATTTCATGCTCACC
ATGTTTGCAGGCATTGAGCT
TGGTACTGGAGCCACAGAGCTGGATCAGACAGACTTGTGCAAATATTTCAGGTTTTTTTTGTGGGGGGGTCATATTTATA
GATAAATAACAGTAAAGAGT
GACRGGTTCTTWTGAAAATGCATACACAGTGAAGTAGAGGGTGAAAAGGAGGGATGTGTTCTATGAGGAGGAAGAGTGAT
AAGAAAGTGTAAGGGGATGT
GTCTGTGTCTAGACATATGTGTGTTCACGTGTGTGCGTGCTTGTGTGTACTGCATGTGTATATGTGTGGCCATGCACCTG
TGTGCATGTTCATGTGTGTG
TGTGTATGTGTCTGTGTTGAGGACTAAATTAATTGGGCTTATGGAAGCAGGGAGCCACTGATAGGTTTAATTAGAGACTG
ACATGATATGATAGTTTAGG
TGGATTTCTCTGGGGGCTGTGTTGAGGGACAGTGGGGAGGAGAGCTAGAAGGAAGAAAAGGACACATGCATARCAGAAGC
AATATCTGTCTATGGGATGG
TGGAAAGAATCAGAAAAGACTTAATAAAACATGTGACACTTTAACTGAATCTTGAAATAGACAAGTGTTGGAGGAGGGAG
TTGGACCAGATACTTCATGC
AAAGGGAAGAAAAGTGCACAAACAAAATATGAGAAACAAGGCAGACAGGCATTTTTTTWAAATTTTCGCACCCACTGATR
GACCAGTGATGCATTCACAT
CGTCTGCATTCATGATCAACARAAGTGCTTTCCTAGAACATGAACCTCAACCCAAGTGTCGCCTCAAGTAGTGTATGCAT
GAACTCAAGCATTAAATTAG
AATTGATTTTTTAAAAAACTCACACAAACAGATGTATTATTTAAAAATCTTTAAAGCRGGTTTAAACAGTTTTCAGGATT
AAAAGCAGCCACTATTAGAA
AGAACAAAAATACATTTGACATAAATATAAGGAGCCTCAATAGAACCTCCTGTACCCAGTCATTGTCAMTGCCACATCCA
TTCATTCACCAGCCCTTATA
TCAATGCTTGCTGGGCTCACTTACCACGATCAGCACGTGCATGTCCTTAYCTGAAAGCTTGCCACTCAAATGTGCTCAGT
CTTACCTGTGTGGCTGGGAG
TGTTGGGGATTTAATGTCAAGGGAAAGAATCTTCCATCAATGAATGATGAAAGTTAGTTTTCACAACTTCCGGTCCCCTT
GGCCCTCATCAAAGGGCTCC
AGGTGAGGTTTGGGCTCCTTGCTATCCTCCGAGTTTCCACGRTAGTTTTAAGCACCATTGCCCGTGGTAATGGCTGACAT
TGATACTGCACTTTTTTTTT
ATTTAAGATGGAGTTCCCCTCTGCCACCCRGACTGGAGTACAGTGGCGCGATCCTGGCCATYGCAACCTCCGCCTCCCAG
ATCCCTCCTACAACACATGA
GAATTGTGGGTGCTACAATTCAAGATGAGATTTGAGTGGGGACAAAGTCAAACCATATCATTAGATAGGACACTGGAGAA
AGGCAAGAAAGAAAAGACAT
CTGAAGAATGAAGGGAGCCAAAGAAATGCCAACATTTTGCTTTTTGAAGAAAAGCTAAATTAAAGTCAAAATGGATTTAT
CAATTTCCTTGGGTTCGTGA
ATGTACAGAACTTTATTAAGACTGTCATGCTGTCATCATGGCTGGATCTGATACGGCCACCGTGGACCTTGAGGTGACCT

CGGGAATGGAGACAGTGCAT
GGGAGAGAATCACATTGGAAGGGGCCTGGGTTTCTGAAGACCCTGTAAGACAGATCTCCTTGCAGCCCTGACTGCCCACA
TTAGGGCTTTTATGTTAGGG
TGAAGTTACCTTGCATTGTCATATAAGCAATTGCTATTTGTGGTGTCTTGCAAATAAACCTATTCTGATCTK

タンパク質配列　（配列番号:187）：
SRFKQFSGLKAATIRKNKNTFDINIRSLNRTSCTQSLSMPHPFIHQPLYQCLLGSLTTISTCMSLPESLPLKCAQSYLCG
WECWGFNVKGKNLPSMNDES

SNP情報

内容　（配列番号:919）：
GTTTTCAGGATTAAAAGCAGCCACTATTAGAAAGAACAAAAATACATTTGACATAAATATAAGGAGCCTCAATAGAACCT
CCTGTACCCAGTCATTGTCA
M
TGCCACATCCATTCATTCACCAGCCCTTATATCAATGCTTGCTGGGCTCACTTACCACGATCAGCACGTGCATGTCCTTA
CCTGAAAGCTTGCCACTCAA
Celera SNP ID: hCV25748894
SNP位置転写物: 4069
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（A,28|C,8）アフリカ系アメリカ人（A,28|C,10）全体（A,56|C,18）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:187，39，（M,ATG）（L,CTG）

SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（A,23|C,13）アフリカ系アメリカ人（A,25|C,9）全体（A,48|C,22）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:187，39，（M,ATG）（L,CTG）

SNP供給源: dbSNP
母集団（対立遺伝子，数）：no_pop（A,-|C,-）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:187，39，（M,ATG）（L,CTG）

内容　（配列番号:920）：
GTCGCCTCAAGTAGTGTATGCATGAACTCAAGCATTAAATTAGAATTGATTTTTTAAAAAACTCACACAAACAGATGTAT
TATTTAAAAATCTTTAAAGC
R
GGTTTAAACAGTTTTCAGGATTAAAAGCAGCCACTATTAGAAAGAACAAAAATACATTTGACATAAATATAAGGAGCCTC
AATAGAACCTCCTGTACCCA
Celera SNP ID: hCV25749366
SNP位置転写物: 3958
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（G,1|A,35）アフリカ系アメリカ人（A,36）全体（G,1|A,71）

SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:187, 2, (R,AGG) (G,GGG)

SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（G,1|A,37） アフリカ系アメリカ人（A,34） 全体（G,1|A,71）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:187, 2, (R,AGG) (G,GGG)

内容 （配列番号:921）:
CTGCCCACATTAGGGCTTTTATGTTAGGGTGAAGTTACCTTGCATTGTCATATAAGCAATTGCTATTTGTGGTGTCTTGCAAATAAACCTATTCTGATCT
K

Celera SNP ID: hCV25745399
SNP位置転写物: 4972
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（T,32） アフリカ系アメリカ人（G,2|T,30） 全体（G,2|T,62）
SNP型: ドナースプライス部位
タンパク質コード: 配列番号:187, 無し

内容 （配列番号:922）:
CGAGTTTCCACGGTAGTTTTAAGCACCATTGCCCGTGGTAATGGCTGACATTGATACTGCACTTTTTTTTATTTAAGATGGAGTTCCCCTCTGCCACCC
R
GACTGGAGTACAGTGGCGCGATCCTGGCCATCGCAACCTCCGCCTCCCAGATCCCTCCTACAACACATGAGAATTGTGGGTGCTACAATTCAAGATGAGA
Celera SNP ID: hCV32181059
SNP位置転写物: 4430
SNP供給源: dbSNP
母集団（対立遺伝子, 数）: no_pop（G,-|A,-）
SNP型: UTR 3
タンパク質コード: 配列番号:187, 無し

内容 （配列番号:923）:
CTGTACCCAGTCATTGTCAATGCCACATCCATTCATTCACCAGCCCTTATATCAATGCTTGCTGGGCTCACTTACCACGATCAGCACGTGCATGTCCTTA
Y
CTGAAAGCTTGCCACTCAAATGTGCTCAGTCTTACCTGTGTGGCTGGGAGTGTTGGGGATTTAATGTCAAGGGAAAGAATCTTCCATCAATGAATGATGA
Celera SNP ID: hCV2269946
SNP位置転写物: 4150
SNP供給源: Applera

タンパク質コード: 配列番号:189, 無し

内容 (配列番号:959):
TAAAGAGCATATTTACATTCGTTTTAATTGTGGAATTTATAATTGGAAATTTAGGAAATAGTTTCATAGCACTGGTGAAC
TGTATTGACTGGGTCAAGGG
W
AGAAAGATCTCTTCGGTTGATCGGATCCTCACTGCTTTGGCAATCTCTCGAATTAGCCTGGTTTGGTTAATATTCGGAAG
CTGGTGTGTGTCTGTGTTTT
Celera SNP ID: hCV25987288
SNP位置転写物: 170
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（A,26|T,12） アフリカ系アメリカ人（A,31|T,5） 全体（A,57|T,17）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:189, 38, （G,GGA） （G,GGT）

SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（A,28|T,12） アフリカ系アメリカ人（A,30|T,6） 全体（A,58|T,18）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:189, 38, （G,GGA） （G,GGT）

SNP供給源: dbSNP
母集団（対立遺伝子, 数）: no_pop（A,-|T,-）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:189, 38, （G,GGA） （G,GGT）

内容 (配列番号:960):
TAGAAAAAAAATAGCTCCTAAGAAATTCTTGTATGTTATATAAATTTATACTTCCTTAAGATTCTTTCATTGTGTATAAC
TTTGTGAATTTTACAAAGAT
R
TGCTTGGAATCAACACCATCCAAACATATCACAAATTAGGATATATGAAAGTATGTATATTACCATACAGAGAAGAATGC
GAATACTATAAAGAGTTCTT
Celera SNP ID: hCV25990247
SNP位置転写物: 1117
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（A,30） アフリカ系アメリカ人（G,2|A,28） 全体（G,2|A,58）
SNP型: UTR 3
タンパク質コード: 配列番号:189, 無し

内容 (配列番号:961):
TCAATCATTTTAGTGTCTGGTTAGCTACAGGCCTCGGTACTTTTTATTTTCTCAAGATAGCCAATTTTTCTAACTCTATT
TTTCTCTACCTAAAGTGGAG

タンパク質コード: 配列番号:205, 無し

内容 （配列番号:1092）：
GAAAGAACTTCCACTTCGTGCACCGCTCGGCCGACGTGGAGAGCGTGGTGAGCGGGACCCTCCGCTCAGCCTTCGAGTAC
GGTGGCCAGAAGTGTTCCGC
S
TGCTCGCGTCTCTACGTGCCGCACTCGCTGTGGCCGCAGATCAAAGGGCGGCTGCTGGAGGAGCACAGTCGGATCAAAGT
GGGCGACCCTGCAGAGGATT
Celera SNP ID: hCV169539
SNP位置転写物: 1294
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）：白人（G,10|C,24） アフリカ系アメリカ人（G,1|C,5） 全体（G,11|C,29）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:205, 350, （A,GCC） （A,GCG）

SNP供給源: Celera;dbSNP
母集団（対立遺伝子, 数）：no_pop（G,1|C,2） 全体（G,1|C,2）;no_pop（G,1|C,2） 全体（G,1|C,2）no_pop（G,-|C,-）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:205, 350, （A,GCC） （A,GCG）

内容 （配列番号:1093）：
ACTTTGTGGAGCCCTGCATCGTGGAGAGCAAGGACCCTCAGGAGCCCATCATGAAGGAGGAGATCTTCGGGCCTGTACTG
TCTGTGTACGTCTACCCGGA
Y
GACAAGTACAAGGAGACGCTGCAGCTGGTTGACAGCACCACCAGCTATGGCCTCACGGGGGCAGTGTTCTCCCAGGATAA
GGACGTCGTGCAGGAGGCCA
Celera SNP ID: hCV15853280
SNP位置転写物: 1624
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）：白人（C,17|T,9） アフリカ系アメリカ人（C,2） 全体（C,19|T,9）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:205, 460, （D,GAC） （D,GAT）

SNP供給源: dbSNP
母集団（対立遺伝子, 数）：no_pop（C,-|T,-）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:205, 460, （D,GAC） （D,GAT）

内容 （配列番号:1094）：
TGATCCGTTTCCCCCCGAGGATCGAGGTGGTGCGCTCTGGACGGGGTTGTGCATTCTCGCCGCGCCCGGGCGGACGATCC
AGCGAACAGCCCCGCTTCTA

SNP型: UTR 3
タンパク質コード: 配列番号:206, 無し

内容 (配列番号:1129):
GATCTTCCAGGTGGTCCCCAAAAAGAAAGAGCGTAAGGTGGCTTCCGATGATGACATCTCTGAGCAGGACGGGGAGGTGAACCGGTTCTCGGACGATGAG
R
TCGGCTCCATGAACATCACCGATGAGATGAAGCGCATGTTTAACCAGCTGCGGGAGACCTTTGACTTTGACGACGACTGTGACAGCCTGACGTGGGAAGA
Celera SNP ID: hCV32162868
SNP位置転写物: 1315
SNP供給源: dbSNP
母集団（対立遺伝子, 数）: no_pop（G,-|A,-）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:206, 352, （I,ATC） （V,GTC）

内容 (配列番号:1130):
GGAGATGTGCAGCATGAAGCGAGGCCTGGACGTGCAGATGGAGACCTGCCGCCGGCTCATCAAAGGCTCCGCAGACAGGAATTCACCGTCCCCCAGCTCC
R
TGGCCAGCAGCGACTCAGGAAGTACAGATGAGATCCAGGATGAGTTCGAGCGCGAGGCGGATGTGGAGCCCATGGTCAGCTGATGACTGAGGCCCTGCGA
Celera SNP ID: hCV25983631
SNP位置転写物: 1732
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（G,33|A,1） アフリカ系アメリカ人（G,4） 全体（G,37|A,1）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:206, 491, （M,ATG） （V,GTG）

遺伝子番号: 57
Celera遺伝子: hCG25110 - 105000095088419
Celera転写物: hCT2252962 - 105000095088433
公開転写物登録番号:
Celeraタンパク質: hCP1854982 - 197000069368116
公開タンパク質登録番号:
遺伝子記号:
タンパク質名:
Celeraゲノム軸: GA_x5YUV32W3P1（2032084..2092534）
染色体: Chr1
OMIM番号:
OMIM情報:

SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:218, 167, （T,ACC） （T,ACT）

内容 （配列番号:1228）:
GTGCATCGTTGGACGCCTCCCCTGGGTCAAGCTCCCCATTTACATCTTGGTGCAGTTGCTGTCTGCTTTCTGTGCTTCGGGAGCCACCTATGTTCTCTAC
Y
ATGATGCCCTACAGAACTATACAGGTGGGAACCTGACAGTGACTGGCCCCAAGGAGACAGCCTCCATTTTTGCCACCTATCCTGCCCCCTATCTGTCCCT
Celera SNP ID: hCV25753038
SNP位置転写物: 407
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（C,16|T,8） アフリカ系アメリカ人（C,13|T,5） 全体（C,29|T,13）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:218, 123, （H,CAT） （Y,TAT）

SNP供給源: dbSNP
母集団（対立遺伝子, 数）: no_pop（C,-|T,-）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:218, 123, （H,CAT） （Y,TAT）

内容 （配列番号:1229）:
GCATCGTTGGACGCCTCCCCTGGGTCAAGCTCCCCATTTACATCTTGGTGCAGTTGCTGTCTGCTTTCTGTGCTTCGGGAGCCACCTATGTTCTCTACCA
Y
GATGCCCTACAGAACTATACAGGTGGGAACCTGACAGTGACTGGCCCCAAGGAGACAGCCTCCATTTTTGCCACCTATCCTGCCCCCTATCTGTCCCTGA
Celera SNP ID: hCV25753052
SNP位置転写物: 409
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（T,24） アフリカ系アメリカ人（C,1|T,21） 全体（C,1|T,45）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:218, 123, （H,CAC） （H,CAT）

内容 （配列番号:1230）:
AGACAGAGGGAGCAGTGAATAGCAATAGGGTGTTTCCACCATGGTCTTCACTCAGGCCCCGGCTGAAATCATGGGCCACCTCC
R
GATACGCAGCCTCCTGGCCCGGCAGTGCCTGGCAGAGTTTCTGGGTGTGTTTGTACTCATGCTCCTCACCCAAGGAGCTGTGGCCCAGGCTGTCACCAGT
Celera SNP ID: hCV25618493
SNP位置転写物: 84

SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:220, 573, (Y,TAC) (Y,TAT)

SNP供給源: Applera
母集団(対立遺伝子, 数): 白人(C,25|T,13) アフリカ系アメリカ人(C,25|T,11) 全体(C,50|T,24)
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:220, 573, (Y,TAC) (Y,TAT)

SNP供給源: HGBASE;dbSNP
母集団(対立遺伝子, 数): no_pop(C,-|T,-) ;no_pop(C,-|T,-) JBIC-対立遺伝子(C,1194|T,302) 全体(C,1194|T,302)
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:220, 573, (Y,TAC) (Y,TAT)

内容 (配列番号:1239):
GAGCGCTGAGGGTCTCCCATGGGATTGCTGGGATCTTGCTGGGTGAGATGGCAGTGTGTGCAAAAAAGCGCCCCCCAGAA
GAAGAAAGGAGGGCGCGGGC
Y
AATGACCGAGAATACAATGAGAAATTCCAGTATGCGAGTAACTGCATCAAGACCTCCAAGTACAATATTCTCACCTTCCT
GCCTGTCAACCTCTTTGAGC
Celera SNP ID: hCV30997553
SNP位置転写物: 251
SNP供給源: dbSNP
母集団(対立遺伝子, 数): no_pop(C,-|T,-)
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:220, 18, (A,GCC) (A,GCT)

内容 (配列番号:1240):
GTGCCTTTGGTTCTTGTCCTCACCATCACAGCTGTTAAAGATGCCACTGATGACTATTTCCGCCACAAGAGCGATAACCA
GGTGAATAACCGCCAGTCTC
R
GGTGCTGATCAATGGAATCCTCCAGCAGGAGCAGTGGATGAATGTCTGTGTTGGTGATATTATCAAGCTAGAAAATAACC
AGTTTGTGGCGGCTGTAGAC
Celera SNP ID: hCV25618508
SNP位置転写物: 544
SNP供給源: Applera
母集団(対立遺伝子, 数): 白人(G,2|A,36) アフリカ系アメリカ人(A,34) 全体(G,2|A,70)
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:220, 116, (Q,CAG) (R,CGG)

内容 (配列番号:1241):
TGAGCGCTGAGGGTCTCCCATGGGATTGCTGGGATCTTGCTGGGTGAGATGGCAGTGTGTGCAAAAAAGCGCCCCCCAGA

71|A,1)
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:223, 126, (A,GCA) (A,GCG)

SNP供給源: Applera
母集団(対立遺伝子, 数): 白人(G,39|A,1) アフリカ系アメリカ人(G,35|A,1) 全体(G,74|A,2)
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:223, 126, (A,GCA) (A,GCG)

内容 (配列番号:1273):
GGGAGACATCGGCTACAGTTTCGTGGTGGGCTCGGACGGCTACGTGTACGAGGGACGCGGCTGGCACTGGGTGGGCGCCCACACGCTCGGCCACAACTCC
Y
GGGGCTTCGGCGTGGCCATAGTGGGCAACTACACCGCGGCGCTGCCCACCGAGGCCGCTCTGCGCACGGTGCGCGACACGCTCCCGAGTTGTGCGGTGCG
Celera SNP ID: hCV15973919
SNP位置転写物: 1556
SNP供給源: Applera
母集団(対立遺伝子, 数): 白人(C,30|T,4) アフリカ系アメリカ人(C,34|T,2) 全体(C,64|T,6)
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:223, 476, (R,CGG) (W,TGG)

SNP供給源: HGBASE;dbSNP
母集団(対立遺伝子, 数): no_pop(C,-|T,-) ;no_pop(C,-|T,-) JBIC-対立遺伝子(C,1456|T,30) 全体(C,1456|T,30)
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:223, 476, (R,CGG) (W,TGG)

内容 (配列番号:1274):
GGCCCAGCAGGTGTGGGGAACCCTTGTCCTTCTACAGAGGCTGGAGCCAGTACACCTCCAGCTTCAGTGCATGAGCCAAGAACAGCTGGCCCAGGTGGCT
R
CCAATGCTACCAAGGAATTCACTGAGGCCTTCCTGGGATGCCCGGCCATCCACCCCCGCTGCCGCTGGGGAGCGGCGCCTTATCGGGGCCGCCCGAAGCT
Celera SNP ID: hCV25751127
SNP位置転写物: 1226
SNP供給源: Applera
母集団(対立遺伝子, 数): 白人(G,37|A,1) アフリカ系アメリカ人(G,36) 全体(G,73|A,1)
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:223, 366, (T,ACC) (A,GCC)

内容 （配列番号:1275）：
CTCTACCACTTCCTGCTGGGGGCATGGAGCCTCAATGCTACAGAGTTGGATCCCTGCCCACTAAGCCCAGAGCTGTTAGGCCTGACCAAGGAGGTGGCCC
R
ACATGACGTACGAGAAGGGAAGGAATATGGGGTGGTGCTGGCACCTGATGGCTCGACCGTGGCTGTGGAGCCTCTGCTGGCGGGGCTGGAGGCAGGGCTG
Celera SNP ID: hCV8157050
SNP位置転写物: 426
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（G,15|A,21） アフリカ系アメリカ人（G,15|A,5） 全体（G,30|A,26）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:223，99，（Q,CAA） （R,CGA）

SNP供給源: Celera;HGBASE;dbSNP
母集団（対立遺伝子，数）：no_pop（G,7|A,5） 全体（G,7|A,5）;no_pop（G,7|A,5） 全体（G,7|A,5）no_pop（G,-|A,-） ;no_pop（G,7|A,5） 全体（G,7|A,5）no_pop（G,-|A,-）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:223，99，（Q,CAA） （R,CGA）

内容 （配列番号:1276）：
GCCCAGCCTTTGCGGGTCACTCTGCGGGCAACATCCCTGATCCTGTGACTTCTGCCTATGCAGCCTCAGCTCAGCCCCAGACCCAGCCAGCCTGTCCTTT
Y
CCCAGCTCCTAATACCTCTACCTTTCCAGCCAAGGCATGGACCCTGACACCTGCCAACAGCCCCTCTGCCCTCACAACCTCAGCCTGGCCTTCATGACTT
Celera SNP ID: hCV30298954
SNP位置転写物: 2023
SNP供給源: dbSNP
母集団（対立遺伝子，数）：no_pop（C,-|T,-）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:223，631，（F,TTC） （F,TTT）

内容 （配列番号:1277）：
ACCCAGAGCCATCCAGACCTGGGAACTGAGGGCTGCTGGGACCAGCTCTCTGCCCCTCGGACCTTTACGCTTTTGGACCCCAAGGCATCTCTGTTAACCA
W
GGCCTTCCTCAATGGCGCCCTGGATGGGGTCATCCTTGGAGACTACCTGAGCCGGACTCCTGAGCCCCGGCCATCCCTCAGCCACTTGCTGAGCCAGTAC
Celera SNP ID: hCV7494113
SNP位置転写物: 939
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（A,22|T,18） アフリカ系アメリカ人（A,14|T,22） 全体（A,36|T,40）
SNP型: ミスセンス変異

タンパク質コード: 配列番号:223, 270, (K,AAG) (M,ATG)

SNP供給源: HGBASE;dbSNP
母集団（対立遺伝子, 数）: no_pop（A,-|T,-） ;no_pop（A,-|T,-）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:223, 270, (K,AAG) (M,ATG)

内容 （配列番号:1278）:
CTGGCCCAGGTGGCTGCCAATGCTACCAAGGAATTCACTGAGGCCTTCCTGGGATGCCCGGCCATCCACCCCCGCTGCCG
CTGGGGAGCGGCGCCTTATC
R
GGGCCGCCCGAAGCTGCTGCAGCTGCCGCTGGGATTCTTGTACGTGCATCACACCTACGTGCCTGCACCACCCTGCACGG
ACTTCACGCGCTGCGCAGCC
Celera SNP ID: hCV8157051
SNP位置転写物: 1311
SNP供給源: Celera
母集団（対立遺伝子, 数）: no_pop（G,5|A,1） 全体（G,5|A,1）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:223, 394, (Q,CAG) (R,CGG)

内容 （配列番号:1279）:
GGGTCATCCTTGGAGACTACCTGAGCCGGACTCCTGAGCCCCGGCCATCCCTCAGCCACTTGCTGAGCCAGTACTATGGG
GCTGGGGTGGCCAGAGACCC
M
GGGTTCCGCAGCAACTTCCGACGGCAGAACGGTGCTGCTCTGACTTCAGCCTCCATCCTGGCCCAGCAGGTGTGGGGAAC
CCTTGTCCTTCTACAGAGGC
Celera SNP ID: hCV29179751
SNP位置転写物: 1066
SNP供給源: dbSNP
母集団（対立遺伝子, 数）: no_pop（A,-|C,-）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:223, 312, (P,CCA) (P,CCC)

内容 （配列番号:1280）:
ACTTGCTGAGCCAGTACTATGGGGCTGGGGTGGCCAGAGACCCAGGGTTCCGCAGCAACTTCCGACGGCAGAACGGTGCT
GCTCTGACTTCAGCCTCCAT
S
CTGGCCCAGCAGGTGTGGGGAACCCTTGTCCTTCTACAGAGGCTGGAGCCAGTACACCTCCAGCTTCAGTGCATGAGCCA
AGAACAGCTGGCCCAGGTGG
Celera SNP ID: hCV25750371
SNP位置転写物: 1123
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（C,36） アフリカ系アメリカ人（G,1|C,35） 全体（G,1|C,71）

SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:223, 331, (I,ATC) (M,ATG)

内容 (配列番号:1281):
GCTCCACGAGGCCCCTGCCCCCTGCCTGTAACAGCTGTGCCCGCACAGCCTCAGCCAGGCCCCCAACTTCCCGGCGGCACGTCTATTCAGGAAACCTAGG
Y
CCAGCCTTTGCGGGTCACTCTGCGGGCAACATCCCTGATCCTGTGACTTCTGCCTATGCAGCCTCAGCTCAGCCCCAGACCCAGCCAGCCTGTCCTTTCC
Celera SNP ID: hCV8157061
SNP位置転写物: 1924
SNP供給源: Celera
母集団(対立遺伝子, 数): no_pop (C,6|T,1) 全体 (C,6|T,1)
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:223, 598, (G,GGC) (G,GGT)

内容 (配列番号:1282):
TCCTAATACCTCTACCTTTCCAGCCAAGGCATGGACCCTGACACCTGCCAACAGCCCCTCTGCCCTCACAACCTCAGCCTGGCCTTCATGACTTCTCTAC
S
CAAGTCACAACCTGTCAGGCTGCACCACCTCATCCTGGCCCGCCGAACCTTGACCTCACCCCTGCCCCTACCCGAAGGCCCTCTGTCCACACAACATGAA
Celera SNP ID: hCV8157062
SNP位置転写物: 2130
SNP供給源: Celera;dbSNP
母集団(対立遺伝子, 数): no_pop (G,2|C,6) 全体 (G,2|C,6);no_pop (G,2|C,6) 全体 (G,2|C,6) no_pop (G,-|C,-)
SNP型: UTR 3
タンパク質コード: 配列番号:223, 無し

遺伝子番号: 65
Celera遺伝子: hCG38598 - 149000145765771
Celera転写物: hCT2284612 - 149000145765780
公開転写物登録番号: NM_052890
Celeraタンパク質: hCP1896051 - 197000069449315
公開タンパク質登録番号: NP_443122
遺伝子記号: PGRP-L
タンパク質名: ペプチドグリカン認識タンパク質L前駆体;PGLYRPL;PGRP-L;PGRPL;TAGL-様;tagL;tagL-α;tagl-β
Celeraゲノム軸: GA_x5YUV32W1A1 (6686516..6709386)
染色体: Chr19
OMIM番号:
OMIM情報:

内容　（配列番号:1293）：
GGGTCATCCTTGGAGACTACCTGAGCCGGACTCCTGAGCCCCGGCCATCCCTCAGCCACTTGCTGAGCCAGTACTATGGG
GCTGGGGTGGCCAGAGACCC
M
GGGTTCCGCAGCAACTTCCGACGGCAGAACGGTGCTGCTCTGACTTCAGCCTCCATCCTGGCCCAGCAGGTGTGGGGAAC
CCTTGTCCTTCTACAGAGGC
Celera SNP ID:　hCV29179751
SNP位置転写物:　1066
SNP供給源:　dbSNP
母集団（対立遺伝子，数）：no_pop（A,-|C,-）
SNP型:　サイレント変異
タンパク質コード:　配列番号:224，312，（P,CCA）　（P,CCC）

内容　（配列番号:1294）：
ACTTGCTGAGCCAGTACTATGGGGCTGGGGTGGCCAGAGACCCAGGGTTCCGCAGCAACTTCCGACGGCAGAACGGTGCT
GCTCTGACTTCAGCCTCCAT
S
CTGGCCCAGCAGGTGTGGGGAACCCTTGTCCTTCTACAGAGGCTGGAGCCAGTACACCTCCAGCTTCAGTGCATGAGCCA
AGAACAGCTGGCCCAGGTGG
Celera SNP ID:　hCV25750371
SNP位置転写物:　1123
SNP供給源:　Applera
母集団（対立遺伝子，数）：白人（C,36）　アフリカ系アメリカ人（G,1|C,35）　全体（G,1|C,71）
SNP型:　ミスセンス変異
タンパク質コード:　配列番号:224，331，（I,ATC）　（M,ATG）

遺伝子番号:　66
Celera遺伝子:　hCG38633 - 226000018878110
Celera転写物:　hCT29876 - 226000018878111
公開転写物登録番号:　NM_000134
Celeraタンパク質:　hCP48455 - 197000069464429
公開タンパク質登録番号:　NP_000125
遺伝子記号:　FABP2
タンパク質名:　脂肪酸結合タンパク質 2，腸管;FABPI;FABPI，I-FABP
Celeraゲノム軸:　GA_x5YUV32VYAM（763337..780251）
染色体:　Chr4
OMIM番号:　134640
OMIM情報:　脂肪酸結合タンパク質 2;FABP2

転写配列　（配列番号:99）：
AATTCTCGCCCAAGGACAGACCTGAATCTCTAGCTGCCTAGAGGCTGACTCAACTGAAATCATGGCGTTTGACAGCACTT
GGAAGGTAGACCGGAGTGAA

タンパク質コード: 配列番号:228, 428, （H,CAC） （H,CAT）

内容 （配列番号:1335）:
GTGTGGTTCGGAGCCGCGGGCGCCATTCTCTGCTCTAGCCCGGGGTCCCAGGAGACTTTTCTGCGGTCCTCGCCCCTGCCGCTGGCAAGTCCCAGCCCCC
R
GGACCCGAAAGTCAGCGCCCCGCCTAGTATCTTGGAGCCAGCCTCCCCGCTGAATTCTCCGGGCACCGAGGGGTCTTGGCTGTTTTCTACCTGCGGGGCC
Celera SNP ID: hCV11305249
SNP位置転写物: 295
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（G,37|A,3） アフリカ系アメリカ人（G,34|A,4） 全体（G,71|A,7）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:228, 42, （Q,CAG） （R,CGG）

SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（G,35|A,3） アフリカ系アメリカ人（G,31|A,3） 全体（G,66|A,6）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:228, 42, （Q,CAG） （R,CGG）

SNP供給源: HGBASE;dbSNP
母集団（対立遺伝子, 数）: no_pop（G,-|A,-） ;no_pop（G,-|A,-） JBIC-対立遺伝子（G,1131|A,371） 全体（G,1131|A,371）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:228, 42, （Q,CAG） （R,CGG）

内容 （配列番号:1336）:
GTGGCAACCTCAACACTGAGCCTCCTTATGGTGTGTGGGGTCCTGATTCTGGGTACGAAGCGTCTAGCAGGCACAGTTGATTCAAGGCTGCTCCTCTCCA
R
TGAGCTGGGATGGGTTTCTGCGGGGTCCCGGGGCTGACTTCAAGACCACTCACCGCAGCAGAGCCGTGGTAGACTCCTCTGGGATTCTAAGATAGGAAGG
Celera SNP ID: hCV2758484
SNP位置転写物: 1591
SNP供給源: Celera;HGBASE;dbSNP
母集団（対立遺伝子, 数）: no_pop（G,11|A,1） 全体（G,11|A,1）;no_pop（G,11|A,1） 全体（G,11|A,1）no_pop（G,-|A,-） ;no_pop（G,11|A,1） 全体（G,11|A,1）no_pop（G,-|A,-）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:228, 474, （N,AAT） （S,AGT）

遺伝子番号: 67

タンパク質コード: 配列番号:231, 14, （H,CAC） （H,CAT）

内容 （配列番号:1356）:
GTACGTGCTCCCTTCGGCGCTCAGCGTTGGGGTCCCAATCCTCTCCCCAGGGGCGCTCACGCACCGGCTCTCCGTCCGTC
CCTTGGGGTCCCCCTATCCC
Y
GCGCTGGGCTGGGCTGGCCTGGGCTGGGCTGGGGGCCCCTGCCCTTATCCAGGCCCCCTGGGCGGGAGCCCTCTCCCAGT
GGCAGTGCCCCTGGACAGCT
Celera SNP ID: hCV11305252
SNP位置転写物: 267
SNP供給源: Celera;dbSNP
母集団（対立遺伝子, 数）: no_pop（C,3|T,12） 全体（C,3|T,12）;no_pop（C,3|T,12） 全体（C,3|T,12）no_pop（C,-|T,-）
SNP型: UTR 5
タンパク質コード: 配列番号:231, 無し

内容 （配列番号:1357）:
GGTGGCAACCTCAACACTGAGCCTCCTTATGGTGTGTGGGGTCCTGATTCTGGGTACGAAGCGTCTAGCAGGCACAGTTG
ATTCAAGGCTGCTCCTCTCC
R
TGAAGCAGAAGAAGTGGCAGGGCCTGCAGGAGATGAGGCTGCCGAGCCCTGAGCTTGAGCTGAGCAAGCTTCGAACCTCT
GCCATCAGGACAGCCCCCAA
Celera SNP ID: hCV2758484
SNP位置転写物: 957
SNP供給源: Celera;HGBASE;dbSNP
母集団（対立遺伝子, 数）: no_pop（G,11|A,1） 全体（G,11|A,1）;no_pop（G,11|A,1） 全体（G,11|A,1）no_pop（G,-|A,-） ;no_pop（G,11|A,1） 全体（G,11|A,1）no_pop（G,-|A,-）
SNP型: ドナースプライス部位
タンパク質コード: 配列番号:231, 無し

遺伝子番号: 67
Celera遺伝子: hCG39290 - 30000675573223
Celera転写物: hCT1957920 - 30000675573409
公開転写物登録番号: NM_002344
Celeraタンパク質: hCP1762545 - 30000675573056
公開タンパク質登録番号: NP_002335
遺伝子記号: LTK
タンパク質名: 白血球チロシンキナーゼ;TYK1
Celeraゲノム軸: GA_x5YUV32W323（8840563..8862805）
染色体: Chr15
OMIM番号: 151520
OMIM情報: 白血球チロシンキナーゼ;LTK

SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:234，881，（H,CAT） （R,CGT）

内容 （配列番号:1379）:
GTGGCTCCTGGGGCTGCCCCACACCTCACACCTTTCTCTGCATGGGCCCTGCGCCATGAGTACCACCTGCAGTACCTGGCACTCGCTCTGGCCCAGAAAG
Y
GGCAGCGCTGCAGCCACTGCCAGCCACCCATGCTGCCCTCTATCATGGTATGGCCTTGGCCCTGCTGAGCCGGCTGCTGCCCGGAAGTGAGTACCTCACC
Celera SNP ID: hCV26633692
SNP位置転写物: 3011
SNP供給源: Celera;HGBASE;dbSNP
母集団（対立遺伝子，数）: no_pop（C,12|T,1） 全体（C,12|T,1）;no_pop（C,12|T,1） 全体（C,12|T,1）アジア人対立遺伝子頻度パネル （42サンプル：10 中国人（amp; 32 日本人，ADA由来の22サンプルを含む））. 研究された染色体数に関連する集団のサイズ（C,168|T,-） US集団に由来するアフリカ系アメリカ人の匿名の非関連個体. 研究された染色体数に関連する集団のサイズ（C,-|T,168） 白人対立遺伝子頻度パネル （42 サンプル）. 研究された染色体数に関連する集団のサイズ（C,168|T,-） US集団に由来する白人の匿名の非関連個体. 研究された染色体数に関連する集団のサイズ（C,-|T,168） シンガポール出身の華僑個体. 研究された染色体数に関連する集団のサイズ（C,-|T,168） アフリカ系アメリカ人対立遺伝子頻度パネル （42 サンプル）. 研究された染色体数に関連する集団のサイズ（C,-|T,168） 全体（C,336|T,672）;no_pop（C,12|T,1） 全体（C,12|T,1）アジア人対立遺伝子頻度パネル （42サンプル：10 中国人（amp; 32 日本人，ADA由来の22サンプルを含む））. 研究された染色体数に関連する集団のサイズ（C,168|T,-） US集団に由来するアフリカ系アメリカ人の匿名の非関連個体. 研究された染色体数に関連する集団のサイズ（C,-|T,168） 白人対立遺伝子頻度パネル （42 サンプル）. 研究された染色体数に関連する集団のサイズ（C,168|T,-） US集団に由来する白人の匿名の非関連個体. 研究された染色体数に関連する集団のサイズ（C,-|T,168） シンガポール出身の華僑個体. 研究された染色体数に関連する集団のサイズ（C,-|T,168） アフリカ系アメリカ人対立遺伝子頻度パネル （42 サンプル）. 研究された染色体数に関連する集団のサイズ（C,-|T,168） 全体（C,336|T,672）no_pop（C,-|T,-）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:234，965，（A,GCG） （V,GTG）

内容 （配列番号:1380）:
GGGCCCAGTGCCCGTTGCCTGCCTGTTGTTCCTGGGAGCCTACTACCAGGCCTGGAGCCAGCAACCAAGCTCATGCCCGGAGGATTGGCTCCAGGACATG
S
AGCGCCTGTCAGAGGAGCTGCTGCTGCCACTGCTGAGTCAGCCCACACTGGGCAGCCTGTGGGATTCCCTTAGGCACTGCTCCCTTCTCTGCAACCCGCT
Celera SNP ID: hCV25985644
SNP位置転写物: 2590
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）: 白人（G,2） アフリカ系アメリカ人（G,29|C,1） 全体（G,31|C,1）
SNP型: ミスセンス変異

SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:237, 178, （P,CCA） （P,CCC）

内容 （配列番号:1419）:
CTGCC
R
TGCTGACTCATGTGCCCGCAGCTAGCAGGAGCTGGCAGCATGGGCTCCCCAGGGGCTACGACAGGCTGGGGGCTTCTGGATTATAAGACGGAGAAGTATG
Celera SNP ID: hCV2615075
SNP位置転写物: 6
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（G,2|A,32） アフリカ系アメリカ人（A,34） 全体（G,2|A,66）
SNP型: UTR 5
タンパク質コード: 配列番号:237, 無し

SNP供給源: Celera
母集団（対立遺伝子, 数）: no_pop（G,2|A,7） 全体（G,2|A,7）
SNP型: UTR 5
タンパク質コード: 配列番号:237, 無し

内容 （配列番号:1420）:
GCAGCTAGCAGGAGCTGGCAGCATGGGCTCCCCAGGGGCTACGACAGGCTGGGGGCTTCTGGATTATAAGACGGAGAAGTATGTGATGACCAGGAACTGG
Y
GGGTGGGCGCCCTGCAGAGGCTGCTGCAGTTTGGGATCGTGGTCTATGTGGTAGGGTGGGCTCTCCTCGCCAAAAAAGGCTACCAGGAGCGGGACCTGGA
Celera SNP ID: hCV27014411
SNP位置転写物: 124
SNP供給源: dbSNP
母集団（対立遺伝子, 数）: CEPH（C,91|T,1） 全体（C,91|T,1）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:237, 37, （R,CGG） （W,TGG）

内容 （配列番号:1421）:
TTCAACTTCTCTAAGTCCAATGCCTTGGAGACCTGGGACCCCACCTATTTTAAGCACTGCCGCTATGAACCACAATTCAGCCCCTACTGTCCCGTGTTCC
R
CATTGGGGACCTCGTGGCCAAGGCTGGAGGGACCTTCGAGGACCTGGCGTTGCTGGGTGGCTCTGTAGGCATCAGAGTTCACTGGGATTGTGACCTGGAC
Celera SNP ID: hCV15963962
SNP位置転写物: 740
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（G,34|A,6） アフリカ系アメリカ人（G,18） 全体（G,

内容 （配列番号:1492）:
GGAAAAGTAGCCTAAAGTCAGT
M
TAACTAAAGGGTGGAACGAGGTGGGACAAGGTCCGGAATTGCTGCTCAGTGATGTGTGTGTGCCTGCCGCTGGTGGAGCT
GAGACTGCTCATCTCAGAAG
Celera SNP ID: hCV7514777
SNP位置転写物: 23
SNP供給源: HGBASE;dbSNP
母集団（対立遺伝子，数）: no_pop（A,-|C,-） ;no_pop（A,-|C,-） JBIC-対立遺伝子（A,1404|C,90） CEPH（A,92|C,-） 全体（A,1496|C,90）
SNP型: UTR 5
タンパク質コード: 配列番号:241，無し

内容 （配列番号:1493）:
CCCCATGACAGGCCCCTGGCCCTGCCTCTGTCTGACTCCCAGATTCAGTGGTTCTACCAGGCCCTGAACCTCTCCCTGCC
CCTCCCCAATTTCCATGCTG
S
GACGGAGCCTGATGGCCTGGACCCCATGGTCACACTGTCCCTGAACCTGGGCTTGTCTTTTGCTGAGCTGCGCCGCATGT
ACTTGTTCCTCAATAGTTCA
Celera SNP ID: hCV25952648
SNP位置転写物: 1174
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）: 白人（G,19|C,1） アフリカ系アメリカ人（G,4） 全体（G,23|C,1）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:241，97，（A,GCG） （G,GGG）

SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子，数）: 白人（G,17|C,1） アフリカ系アメリカ人（G,4） 全体（G,21|C,1）
SNP型: ミスセンス変異
タンパク質コード: 配列番号:241，97，（A,GCG） （G,GGG）

遺伝子番号: 72
Celera遺伝子: hCG43717 - 104000116756865
Celera転写物: hCT1953437 - 104000116756872
公開転写物登録番号: NM_021221
Celeraタンパク質: hCP1763824 - 197000069367421
公開タンパク質登録番号: NP_067044
遺伝子記号: LY6G5B
タンパク質名: リンパ球抗原6 複合体，位置 G5B;C6orf19;G5b
Celeraゲノム軸: GA_x5YUV32W6W6（4694697..4709612）
染色体: Chr6
OMIM番号:

タンパク質コード: 配列番号:243, 56, （D,GAC） （E,GAG）

内容 （配列番号:1511）:
GTGCCAATCCCATCCCCACTGTCCTCAAGAGGGACCAGGAAGGACTAGGCTACAGATCAGCACCCCAGCCCCGAGTGACA
CATTTCCCAGCTTGGGATAC
M
CGAGCTGTGGCTGGGAGGGAGAGACCCCCTCGGGTGGCCACACTGAGCTGGAGGGAGGAGAGAAGGAGGGAGGAGAAAGA
CAGGGCTTGGGAGCGGGATC
Celera SNP ID: hCV16190636
SNP位置転写物: 2035
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（C,38） アフリカ系アメリカ人（A,1|C,19） 全体（A,1|C,57）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:243, 314, （T,ACA） （T,ACC）

SNP供給源: HGBASE;dbSNP
母集団（対立遺伝子, 数）: no_pop（A,-|C,-） ;no_pop（A,-|C,-） JBIC-対立遺伝子（A,18|C,1486） 全体（A,18|C,1486）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:243, 314, （T,ACA） （T,ACC）

内容 （配列番号:1512）:
AGTGGCAGAAGGAGCATCAGGAAGACATGGACAAGGGAGATCCCTTGAGGCTGAGGATAAGATGACTCACCGGATACTGA
GGGCAGCCCAGGAGGGGGAC
Y
TGCCAGAACTTAGGAGACTGCTGGAACCGCATGAGGCAGGAGGAGCTGGGGGGAATATCAACGCCCGGGATGCCTTCTGG
TGGACCCCACTGATGTGTGC
Celera SNP ID: hCV7514770
SNP位置転写物: 1442
SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（C,17|T,1） アフリカ系アメリカ人（C,25|T,1） 全体（C,42|T,2）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:243, 117, （L,CTG） （L,TTG）

SNP供給源: Applera
母集団（対立遺伝子, 数）: 白人（C,27|T,1） アフリカ系アメリカ人（C,33|T,3） 全体（C,60|T,4）
SNP型: サイレント変異
タンパク質コード: 配列番号:243, 117, （L,CTG） （L,TTG）

SNP供給源: Celera;HGBASE;dbSNP
母集団（対立遺伝子, 数）: no_pop（C,7|T,1） 全体（C,7|T,1）;no_pop（C,7|T,1） 全体（C,7|T,1）no_pop（C,-|T,-） ;no_pop（C,7|T,1） 全体（C,7|T,1）no_pop（C,-|T,-） TSC_42_A（C,77|T,3） TSC_42_C（C,78|T,2） TSC_42_AA（C,76|T,8） CEPH（C,92

hCV25633111 配列番号:273
hCV25633112 配列番号:274
hCV25924894 配列番号:278
hCV25930736 配列番号:280
hCV25928952 配列番号:281
hCV25928858 配列番号:282
hCV25929790 配列番号:284
hCV25924367 配列番号:285
hCV25929889 配列番号:294
hCV25929503 配列番号:295
hCV25929416 配列番号:296
hCV25953685 配列番号:302
hCV27840243 配列番号:303
hCV27828617 配列番号:304
hCV25763979 配列番号:307
hCV25952166 配列番号:311
hCV27834550 配列番号:313
hCV25640225 配列番号:325
hCV27855950 配列番号:327
hCV27846121 配列番号:330
hCV25764663 配列番号:338
hCV25928887 配列番号:343
hCV25929390 配列番号:344
hCV25929951 配列番号:346
hCV25770530 配列番号:348
hCV25767995 配列番号:352
hCV25770616 配列番号:353
hCV25744964 配列番号:356
hCV25745454 配列番号:359
hCV25748920 配列番号:360
hCV25748389 配列番号:361
hCV25748433 配列番号:363
hCV25745450 配列番号:366
hCV25748900 配列番号:367
hCV25954014 配列番号:374
hCV25647906 配列番号:376
hCV25647916 配列番号:377
hCV27856612 配列番号:394
hCV27850820 配列番号:404
hCV27839018 配列番号:408
hCV27856612 配列番号:425
hCV27850820 配列番号:436
hCV27839018 配列番号:441
hCV27856612 配列番号:459
hCV27850820 配列番号:470
hCV27839018 配列番号:474
hCV25986088 配列番号:487
hCV25986203 配列番号:488
hCV25986116 配列番号:492
hCV25987104 配列番号:493

hCV25924888 配列番号:496
hCV25999675 配列番号:497
hCV25930754 配列番号:498
hCV25987009 配列番号:503
hCV15852555 配列番号:512
hCV25651228 配列番号:515
hCV25651229 配列番号:516
hCV15852555 配列番号:528
hCV25651228 配列番号:531
hCV25651229 配列番号:532
hCV25770662 配列番号:536
hCV25771083 配列番号:539
hCV25770865 配列番号:543
hCV25768144 配列番号:546
hCV25768558 配列番号:547
hCV25771776 配列番号:548
hCV25770886 配列番号:549
hCV25771083 配列番号:555
hCV25768558 配列番号:559
hCV25770662 配列番号:560
hCV25768144 配列番号:564
hCV25770662 配列番号:566
hCV25771083 配列番号:569
hCV25770865 配列番号:573
hCV25768144 配列番号:576
hCV25768558 配列番号:577
hCV25771776 配列番号:578
hCV25770886 配列番号:579
hCV25986862 配列番号:580
hCV25767751 配列番号:581
hCV25986202 配列番号:583
hCV25989078 配列番号:584
hCV25769225 配列番号:585
hCV25986578 配列番号:586
hCV25986862 配列番号:587
hCV25767751 配列番号:588
hCV25986202 配列番号:590
hCV25989078 配列番号:591
hCV25769225 配列番号:592
hCV25986578 配列番号:593
hCV25986862 配列番号:594
hCV25767751 配列番号:595
hCV25986202 配列番号:597
hCV25989078 配列番号:598
hCV25769225 配列番号:599
hCV25986578 配列番号:600
hCV25650696 配列番号:601
hCV25929266 配列番号:606
hCV25931084 配列番号:607
hCV25931531 配列番号:609

hCV25926037 配列番号:611
hCV25931644 配列番号:613
hCV25925506 配列番号:614
hCV25929926 配列番号:615
hCV25929122 配列番号:619
hCV25925349 配列番号:620
hCV25929140 配列番号:621
hCV25928241 配列番号:622
hCV25931587 配列番号:623
hCV25930985 配列番号:625
hCV25921954 配列番号:628
hCV25921983 配列番号:635
hCV25921984 配列番号:637
hCV25595281 配列番号:639
hCV25595269 配列番号:642
hCV25921954 配列番号:645
hCV25921983 配列番号:652
hCV25921984 配列番号:654
hCV25595281 配列番号:656
hCV25595269 配列番号:659
hCV25952929 配列番号:664
hCV27837768 配列番号:666
hCV16172073 配列番号:668
hCV25654425 配列番号:670
hCV25654450 配列番号:671
hCV25654434 配列番号:672
hCV25654435 配列番号:674
hCV25654444 配列番号:676
hCV25654446 配列番号:679
hCV25654455 配列番号:680
hCV25654447 配列番号:681
hCV25654439 配列番号:682
hCV25654448 配列番号:683
hCV25764433 配列番号:684
hCV27856655 配列番号:685
hCV27833279 配列番号:690
hCV25654421 配列番号:695
hCV16172073 配列番号:697
hCV25654425 配列番号:699
hCV25654450 配列番号:700
hCV25654434 配列番号:701
hCV25654444 配列番号:704
hCV25654446 配列番号:707
hCV25654455 配列番号:708
hCV25654447 配列番号:709
hCV25654439 配列番号:710
hCV25654448 配列番号:711
hCV25764433 配列番号:712
hCV27856655 配列番号:713
hCV27833279 配列番号:718

hCV25974005 配列番号:724
hCV25998235 配列番号:728
hCV25997570 配列番号:730
hCV25942019 配列番号:732
hCV25934221 配列番号:733
hCV25993446 配列番号:735
hCV25996781 配列番号:737
hCV25997570 配列番号:738
hCV25942019 配列番号:742
hCV25934221 配列番号:743
hCV25996781 配列番号:745
hCV25993446 配列番号:746
hCV25998235 配列番号:754
hCV25962316 配列番号:759
hCV25961003 配列番号:764
hCV25595904 配列番号:767
hCV25595897 配列番号:769
hCV25591649 配列番号:851
hCV25591649 配列番号:852
hCV25957872 配列番号:870
hCV25956380 配列番号:878
hCV25957872 配列番号:880
hCV25749366 配列番号:885
hCV25745399 配列番号:886
hCV25747846 配列番号:889
hCV25748882 配列番号:897
hCV25768843 配列番号:899
hCV25964117 配列番号:905
hCV25956410 配列番号:908
hCV25964923 配列番号:909
hCV25956414 配列番号:911
hCV25749366 配列番号:920
hCV25745399 配列番号:921
hCV25747846 配列番号:924
hCV25961989 配列番号:939
hCV25995761 配列番号:950
hCV25986516 配列番号:954
hCV25990247 配列番号:960
hCV25597356 配列番号:1024
hCV25985082 配列番号:1045
hCV15853281 配列番号:1046
hCV25982477 配列番号:1052
hCV25984438 配列番号:1056
hCV25985104 配列番号:1058
hCV25985082 配列番号:1064
hCV15853281 配列番号:1065
hCV25982477 配列番号:1069
hCV25984438 配列番号:1071
hCV25985104 配列番号:1089
hCV25985082 配列番号:1095

hCV15853281 配列番号:1096
hCV25982477 配列番号:1100
hCV25984438 配列番号:1102
hCV25985104 配列番号:1120
hCV25985803 配列番号:1124
hCV25984946 配列番号:1125
hCV25984874 配列番号:1127
hCV25983631 配列番号:1130
hCV25985803 配列番号:1132
hCV25984946 配列番号:1133
hCV25984874 配列番号:1134
hCV25983631 配列番号:1137
hCV25605088 配列番号:1141
hCV25605076 配列番号:1151
hCV25605088 配列番号:1155
hCV25969877 配列番号:1171
hCV25969877 配列番号:1183
hCV25760795 配列番号:1189
hCV25760795 配列番号:1193
hCV25760795 配列番号:1198
hCV27830226 配列番号:1202
hCV25610993 配列番号:1206
hCV27853078 配列番号:1218
hCV25753052 配列番号:1224
hCV25753052 配列番号:1229
hCV25753052 配列番号:1234
hCV25618495 配列番号:1237
hCV25618508 配列番号:1240
hCV25760050 配列番号:1242
hCV25756034 配列番号:1246
hCV25618495 配列番号:1250
hCV25618508 配列番号:1252
hCV25618495 配列番号:1255
hCV25618508 配列番号:1258
hCV25760050 配列番号:1260
hCV25756034 配列番号:1264
hCV25620985 配列番号:1269
hCV25759776 配列番号:1270
hCV25758983 配列番号:1271
hCV25758911 配列番号:1272
hCV25751127 配列番号:1274
hCV25750371 配列番号:1280
hCV25620985 配列番号:1284
hCV25759776 配列番号:1285
hCV25758983 配列番号:1286
hCV25758911 配列番号:1287
hCV25751127 配列番号:1289
hCV25750371 配列番号:1294
hCV25623494 配列番号:1311
hCV25623495 配列番号:1312

hCV25623496 配列番号:1313
hCV25623506 配列番号:1314
hCV25623494 配列番号:1320
hCV25623495 配列番号:1321
hCV25623506 配列番号:1322
hCV25623494 配列番号:1327
hCV25623495 配列番号:1328
hCV25623496 配列番号:1329
hCV25623506 配列番号:1330
hCV25623494 配列番号:1337
hCV25623495 配列番号:1338
hCV25623496 配列番号:1339
hCV25623506 配列番号:1340
hCV25623494 配列番号:1349
hCV25623495 配列番号:1350
hCV25623496 配列番号:1351
hCV25623506 配列番号:1352
hCV25623494 配列番号:1358
hCV25623495 配列番号:1359
hCV25623506 配列番号:1360
hCV25984282 配列番号:1371
hCV25982095 配列番号:1374
hCV25984282 配列番号:1378
hCV27840398 配列番号:1384
hCV25983132 配列番号:1386
hCV25984794 配列番号:1388
hCV25984282 配列番号:1396
hCV25982095 配列番号:1399
hCV25984282 配列番号:1402
hCV27840398 配列番号:1408
hCV25983132 配列番号:1410
hCV25984794 配列番号:1412
hCV25627613 配列番号:1422
hCV25921936 配列番号:1425
hCV25627613 配列番号:1433
hCV25921936 配列番号:1454
hCV25997835 配列番号:1462
hCV25999197 配列番号:1463
hCV25998569 配列番号:1467
hCV25994429 配列番号:1469
hCV25992837 配列番号:1470
hCV25958063 配列番号:1478
hCV25972623 配列番号:1481
hCV25952648 配列番号:1493
hCV25952648 配列番号:1501
hCV25956640 配列番号:1502
hCV25968433 配列番号:1508
hCV25939013 配列番号:1510
hCV27848487 配列番号:1515
hCV25939013 配列番号:1520

hCV25956640 配列番号:1523
hCV25968433 配列番号:1532
hCV25956640 配列番号:1534
hCV25968433 配列番号:1540
hCV25939013 配列番号:1542
hCV27848487 配列番号:1547
hCV25939013 配列番号:1552
hCV25956640 配列番号:1555
hCV25968433 配列番号:1564
hCV25952190 配列番号:1579
hCV25952190 配列番号:1582
。

【０３８６】
［表４］

hCV25631586 配列番号:1681
hCV25631587 配列番号:1682
hCV25631594 配列番号:1698
hCV25631595 配列番号:1699
hCV25631596 配列番号:1702
hCV25633103 配列番号:1825
hCV25633104 配列番号:1826
hCV25633111 配列番号:1850
hCV25633112 配列番号:1853
hCV25633113 配列番号:1855
hCV25633121 配列番号:1872
hCV25633122 配列番号:1874
hCV25633123 配列番号:1875
hCV27837768 配列番号:1886
hCV27841520 配列番号:1936
hCV25952929 配列番号:1974
hCV25928952 配列番号:1996
hCV25924894 配列番号:2021
hCV25930736 配列番号:2028
hCV25930382 配列番号:2076
hCV25929488 配列番号:2082
hCV25929416 配列番号:2093
hCV27841229 配列番号:2115
hCV25929790 配列番号:2116
hCV25929503 配列番号:2125
hCV27835532 配列番号:2126
hCV25930915 配列番号:2139
hCV25928858 配列番号:2143
hCV25923556 配列番号:2146
hCV25926107 配列番号:2163
hCV25924367 配列番号:2164
hCV25929599 配列番号:2165
hCV25929889 配列番号:2166
hCV27834550 配列番号:2196
hCV25952166 配列番号:2214

hCV27855950 配列番号:2294
hCV27846121 配列番号:2297
hCV27840243 配列番号:2312
hCV25764663 配列番号:2353
hCV25953685 配列番号:2370
hCV25640225 配列番号:2472
hCV27844145 配列番号:2473
hCV27828617 配列番号:2492
hCV25763979 配列番号:2497
hCV25929390 配列番号:2698
hCV25929951 配列番号:2709
hCV25928887 配列番号:2711
hCV25767995 配列番号:2755
hCV25743986 配列番号:2817
hCV25742613 配列番号:2854
hCV25743062 配列番号:2874
hCV25770530 配列番号:2892
hCV25768043 配列番号:2903
hCV25770616 配列番号:2924
hCV25744964 配列番号:2942
hCV25743519 配列番号:2958
hCV25767987 配列番号:2967
hCV25745450 配列番号:2987
hCV25745454 配列番号:2988
hCV25748433 配列番号:2996
hCV25748900 配列番号:3005
hCV25748920 配列番号:3011
hCV25748389 配列番号:3012
hCV25745450 配列番号:3037
hCV25745454 配列番号:3038
hCV25748433 配列番号:3042
hCV25748900 配列番号:3048
hCV25748920 配列番号:3095
hCV25748389 配列番号:3098
hCV25954014 配列番号:3108
hCV25647916 配列番号:3125
hCV25647906 配列番号:3146
hCV27856612 配列番号:3158
hCV27840979 配列番号:3182
hCV27837182 配列番号:3207
hCV27850820 配列番号:3213
hCV25650908 配列番号:3221
hCV25650909 配列番号:3222
hCV27852792 配列番号:3228
hCV25650910 配列番号:3233
hCV27839017 配列番号:3234
hCV25650911 配列番号:3235
hCV27839018 配列番号:3236
hCV25650921 配列番号:3241
hCV25650922 配列番号:3242

hCV25650934 配列番号:3254
hCV25986516 配列番号:3289
hCV27838449 配列番号:3306
hCV27846211 配列番号:3321
hCV25990247 配列番号:3325
hCV25986673 配列番号:3327
hCV25986116 配列番号:3336
hCV25986088 配列番号:3337
hCV25987104 配列番号:3344
hCV27853077 配列番号:3356
hCV27853078 配列番号:3357
hCV25986203 配列番号:3359
hCV25987993 配列番号:3389
hCV25924888 配列番号:3725
hCV25631595 配列番号:3773
hCV25631596 配列番号:3775
hCV25993150 配列番号:3892
hCV25989858 配列番号:3912
hCV25987009 配列番号:3976
hCV25996697 配列番号:3977
hCV25991931 配列番号:3981
hCV25999675 配列番号:3982
hCV25989331 配列番号:3985
hCV25993258 配列番号:3997
hCV25930754 配列番号:3998
hCV25926268 配列番号:4005
hCV25993040 配列番号:4009
hCV25997541 配列番号:4010
hCV25743091 配列番号:4017
hCV25651252 配列番号:4027
hCV25651253 配列番号:4029
hCV25768144 配列番号:4038
hCV25771083 配列番号:4042
hCV25771556 配列番号:4043
hCV25651228 配列番号:4045
hCV25651229 配列番号:4047
hCV25651264 配列番号:4052
hCV25651265 配列番号:4053
hCV27839975 配列番号:4057
hCV15852555 配列番号:4061
hCV25768558 配列番号:4062
hCV25651239 配列番号:4070
hCV25651278 配列番号:4074
hCV25651279 配列番号:4076
hCV25770662 配列番号:4086
hCV25651240 配列番号:4087
hCV25651241 配列番号:4089
hCV25768311 配列番号:4096
hCV25743091 配列番号:4105
hCV27828346 配列番号:4108

hCV27851749 配列番号:4111
hCV27853746 配列番号:4116
hCV25771472 配列番号:4117
hCV25768032 配列番号:4118
hCV25651252 配列番号:4120
hCV25651253 配列番号:4122
hCV25771940 配列番号:4123
hCV25768144 配列番号:4128
hCV27830307 配列番号:4129
hCV25771440 配列番号:4133
hCV25771083 配列番号:4134
hCV25772209 配列番号:4135
hCV25770576 配列番号:4138
hCV25771556 配列番号:4139
hCV27834238 配列番号:4140
hCV27834239 配列番号:4141
hCV25651228 配列番号:4144
hCV25651229 配列番号:4145
hCV25748087 配列番号:4149
hCV25770865 配列番号:4150
hCV25771776 配列番号:4152
hCV25749284 配列番号:4154
hCV25986202 配列番号:4155
hCV25743543 配列番号:4159
hCV25767751 配列番号:4160
hCV15852555 配列番号:4161
hCV25986244 配列番号:4162
hCV25768558 配列番号:4163
hCV25651239 配列番号:4164
hCV27857587 配列番号:4166
hCV25986578 配列番号:4167
hCV25986862 配列番号:4168
hCV25770662 配列番号:4177
hCV25768311 配列番号:4179
hCV25771939 配列番号:4181
hCV25770886 配列番号:4182
hCV25768174 配列番号:4186
hCV27828346 配列番号:4189
hCV27851749 配列番号:4191
hCV27853746 配列番号:4193
hCV25771472 配列番号:4194
hCV25768032 配列番号:4195
hCV25989136 配列番号:4196
hCV25988229 配列番号:4197
hCV25771940 配列番号:4198
hCV27830307 配列番号:4205
hCV25933894 配列番号:4207
hCV25988591 配列番号:4209
hCV25771440 配列番号:4216
hCV25772209 配列番号:4217

hCV25986128 配列番号:4218
hCV25741683 配列番号:4220
hCV25745249 配列番号:4223
hCV25937890 配列番号:4224
hCV25770576 配列番号:4225
hCV25771556 配列番号:4226
hCV27834238 配列番号:4227
hCV27834239 配列番号:4228
hCV25934661 配列番号:4231
hCV25748087 配列番号:4234
hCV25770865 配列番号:4235
hCV25989078 配列番号:4236
hCV25771776 配列番号:4238
hCV25745212 配列番号:4239
hCV25749284 配列番号:4240
hCV25988385 配列番号:4242
hCV25986202 配列番号:4243
hCV25767751 配列番号:4249
hCV25743543 配列番号:4250
hCV25986244 配列番号:4254
hCV25988964 配列番号:4255
hCV25937798 配列番号:4259
hCV25744818 配列番号:4260
hCV27857587 配列番号:4261
hCV25986578 配列番号:4262
hCV25986862 配列番号:4263
hCV25938276 配列番号:4265
hCV25741665 配列番号:4273
hCV25768311 配列番号:4278
hCV25770886 配列番号:4283
hCV25771939 配列番号:4284
hCV25769225 配列番号:4285
hCV25749550 配列番号:4286
hCV25650696 配列番号:4315
hCV25931531 配列番号:4394
hCV25924171 配列番号:4397
hCV25929266 配列番号:4417
hCV25930249 配列番号:4437
hCV25929926 配列番号:4445
hCV25924840 配列番号:4457
hCV25924417 配列番号:4463
hCV25931644 配列番号:4473
hCV25928573 配列番号:4487
hCV25926037 配列番号:4492
hCV25931587 配列番号:4498
hCV25931084 配列番号:4503
hCV25925177 配列番号:4508
hCV25929895 配列番号:4513
hCV25923806 配列番号:4532
hCV25928241 配列番号:4533

hCV25925778 配列番号:4536
hCV25929122 配列番号:4544
hCV25925349 配列番号:4545
hCV25925506 配列番号:4560
hCV25929140 配列番号:4565
hCV25930985 配列番号:4572
hCV25924573 配列番号:4582
hCV25931500 配列番号:4592
hCV25929951 配列番号:5069
hCV27844754 配列番号:5241
hCV27846736 配列番号:5558
hCV25922018 配列番号:5567
hCV27840875 配列番号:5639
hCV27840876 配列番号:5640
hCV27854622 配列番号:6034
hCV25929390 配列番号:6107
hCV25595269 配列番号:6372
hCV25595281 配列番号:6401
hCV25595282 配列番号:6402
hCV25921954 配列番号:6663
hCV25921983 配列番号:6726
hCV25921984 配列番号:6727
hCV25928887 配列番号:6832
hCV27841520 配列番号:7136
hCV27837768 配列番号:7163
hCV25952929 配列番号:7171
hCV27833279 配列番号:7233
hCV16172073 配列番号:7242
hCV25763231 配列番号:7243
hCV25764433 配列番号:7370
hCV27856655 配列番号:7477
hCV25654413 配列番号:7494
hCV25654414 配列番号:7496
hCV25654415 配列番号:7498
hCV25654417 配列番号:7501
hCV25654418 配列番号:7504
hCV25654421 配列番号:7519
hCV25654422 配列番号:7520
hCV25654423 配列番号:7521
hCV25654424 配列番号:7523
hCV25654425 配列番号:7524
hCV25654426 配列番号:7526
hCV25654429 配列番号:7531
hCV25654430 配列番号:7536
hCV25654431 配列番号:7537
hCV25654432 配列番号:7538
hCV25654433 配列番号:7539
hCV25654434 配列番号:7540
hCV25654435 配列番号:7541
hCV25654436 配列番号:7542

hCV25654437 配列番号:7543
hCV25654438 配列番号:7544
hCV25654439 配列番号:7545
hCV25654440 配列番号:7549
hCV25654441 配列番号:7551
hCV25654442 配列番号:7553
hCV25654443 配列番号:7555
hCV25654444 配列番号:7556
hCV25654446 配列番号:7558
hCV25654447 配列番号:7560
hCV25654448 配列番号:7562
hCV25654449 配列番号:7564
hCV25654450 配列番号:7569
hCV25654452 配列番号:7571
hCV25654453 配列番号:7573
hCV25654454 配列番号:7575
hCV25654455 配列番号:7576
hCV25654456 配列番号:7578
hCV25654457 配列番号:7580
hCV25958063 配列番号:7707
hCV27851697 配列番号:7712
hCV25962455 配列番号:7719
hCV25962457 配列番号:7720
hCV25970908 配列番号:7721
hCV25959232 配列番号:7730
hCV25973830 配列番号:7732
hCV25969329 配列番号:7741
hCV25974005 配列番号:7742
hCV25957872 配列番号:7743
hCV25967961 配列番号:7745
hCV25972623 配列番号:7746
hCV25942019 配列番号:7748
hCV25998248 配列番号:7769
hCV25935319 配列番号:7791
hCV27842167 配列番号:7814
hCV27842168 配列番号:7815
hCV27842169 配列番号:7817
hCV27848061 配列番号:7847
hCV27848062 配列番号:7848
hCV27855930 配列番号:7855
hCV27840225 配列番号:7871
hCV25997570 配列番号:7888
hCV25935016 配列番号:7916
hCV25996781 配列番号:7917
hCV27830550 配列番号:7923
hCV27830551 配列番号:7924
hCV25993446 配列番号:7926
hCV25937703 配列番号:7938
hCV25934221 配列番号:7946
hCV25938513 配列番号:7964

hCV25935108 配列番号:7973
hCV25937726 配列番号:7983
hCV27836465 配列番号:7984
hCV27836466 配列番号:7985
hCV27844128 配列番号:7986
hCV25998128 配列番号:7987
hCV25938473 配列番号:7998
hCV25933391 配列番号:8004
hCV25939426 配列番号:8012
hCV27857831 配列番号:8022
hCV27834532 配列番号:8023
hCV25998235 配列番号:8051
hCV25941142 配列番号:8053
hCV25985789 配列番号:8108
hCV25985803 配列番号:8118
hCV25985842 配列番号:8127
hCV25961003 配列番号:8134
hCV25983631 配列番号:8140
hCV25957099 配列番号:8143
hCV25961512 配列番号:8145
hCV25962316 配列番号:8149
hCV25973604 配列番号:8157
hCV25595902 配列番号:8190
hCV25595903 配列番号:8191
hCV25595904 配列番号:8192
hCV25595905 配列番号:8193
hCV25595906 配列番号:8194
hCV25595907 配列番号:8195
hCV25753660 配列番号:8301
hCV27857299 配列番号:8521
hCV27833920 配列番号:8536
hCV27835912 配列番号:8686
hCV25595893 配列番号:8857
hCV25595894 配列番号:8859
hCV25595895 配列番号:8861
hCV25595896 配列番号:8863
hCV25595897 配列番号:8865
hCV27851456 配列番号:9025
hCV27829995 配列番号:9116
hCV25961989 配列番号:9251
hCV25921783 配列番号:9267
hCV25627606 配列番号:9360
hCV25995761 配列番号:9400
hCV27838449 配列番号:9491
hCV27838450 配列番号:9507
hCV25745656 配列番号:9549
hCV25986673 配列番号:9891
hCV25650696 配列番号:10267
hCV25990247 配列番号:10372
hCV25986516 配列番号:10394

hCV27834643 配列番号:10469
hCV27846211 配列番号:10621
hCV25746057 配列番号:10696
hCV25591649 配列番号:10925
hCV25647906 配列番号:11020
hCV25647916 配列番号:11038
hCV25954014 配列番号:11246
hCV27855941 配列番号:11253
hCV27855942 配列番号:11254
hCV27846112 配列番号:11256
hCV25644183 配列番号:11588
hCV25597058 配列番号:11882
hCV25597059 配列番号:11883
hCV25597063 配列番号:11893
hCV25597064 配列番号:11894
hCV25597065 配列番号:11895
hCV25597069 配列番号:11899
hCV22273271 配列番号:12196
hCV22275047 配列番号:12235
hCV27843295 配列番号:12359
hCV27843604 配列番号:12383
hCV25957154 配列番号:12705
hCV25973664 配列番号:12717
hCV25959461 配列番号:12718
hCV25966013 配列番号:12722
hCV25965991 配列番号:12726
hCV25971901 配列番号:12729
hCV25957254 配列番号:12735
hCV25956380 配列番号:12739
hCV25959232 配列番号:12742
hCV25959508 配列番号:12752
hCV25969329 配列番号:12754
hCV25958656 配列番号:12755
hCV25957872 配列番号:12758
hCV25965207 配列番号:12759
hCV25967961 配列番号:12760
hCV25749366 配列番号:12797
hCV25747846 配列番号:12822
hCV25745399 配列番号:12851
hCV27833652 配列番号:12854
hCV25742270 配列番号:12859
hCV27835626 配列番号:12878
hCV25742717 配列番号:12881
hCV27856612 配列番号:12902
hCV27840979 配列番号:12914
hCV27837182 配列番号:12926
hCV27850820 配列番号:12934
hCV25650908 配列番号:12939
hCV25650909 配列番号:12941
hCV27852792 配列番号:12950

hCV25650910 配列番号:12958
hCV27839017 配列番号:12960
hCV25650911 配列番号:12961
hCV27839018 配列番号:12963
hCV27852691 配列番号:12964
hCV25743673 配列番号:12968
hCV25748882 配列番号:13107
hCV25768843 配列番号:13111
hCV27837080 配列番号:13119
hCV25742749 配列番号:13222
hCV27835154 配列番号:13229
hCV27835155 配列番号:13231
hCV27833126 配列番号:13240
hCV25964117 配列番号:13469
hCV27844566 配列番号:13483
hCV25964923 配列番号:13511
hCV25956410 配列番号:13548
hCV25956414 配列番号:13552
hCV25957657 配列番号:13566
hCV27833920 配列番号:13617
hCV25749366 配列番号:13811
hCV25747846 配列番号:13836
hCV25745399 配列番号:13865
hCV27833652 配列番号:13868
hCV25742270 配列番号:13873
hCV27835626 配列番号:13892
hCV25742717 配列番号:13895
hCV25961989 配列番号:13926
hCV25969830 配列番号:13934
hCV25921783 配列番号:13947
hCV25627576 配列番号:13949
hCV25998491 配列番号:13979
hCV25993771 配列番号:13987
hCV27846843 配列番号:14064
hCV25995761 配列番号:14069
hCV25986516 配列番号:14081
hCV25990247 配列番号:14102
hCV25986673 配列番号:14103
hCV27838450 配列番号:14600
hCV25746057 配列番号:14603
hCV25745656 配列番号:14615
hCV27834643 配列番号:14625
hCV25597356 配列番号:14760
hCV22275248 配列番号:14788
hCV27846562 配列番号:14790
hCV25597356 配列番号:14822
hCV25597357 配列番号:14824
hCV27850548 配列番号:14853
hCV25985359 配列番号:14866
hCV25985286 配列番号:14867

hCV25985074 配列番号:14893
hCV25957099 配列番号:14897
hCV25982898 配列番号:14911
hCV25985082 配列番号:14920
hCV15853281 配列番号:14921
hCV25985956 配列番号:14931
hCV25983631 配列番号:14934
hCV25982477 配列番号:14937
hCV25984438 配列番号:14939
hCV25984870 配列番号:14945
hCV25985104 配列番号:14957
hCV25961003 配列番号:14958
hCV25961512 配列番号:14963
hCV25962316 配列番号:14965
hCV25973604 配列番号:14975
hCV25985789 配列番号:15042
hCV25957099 配列番号:15071
hCV25984560 配列番号:15075
hCV25982677 配列番号:15081
hCV25985803 配列番号:15095
hCV25983631 配列番号:15104
hCV25984946 配列番号:15117
hCV25984874 配列番号:15119
hCV25983063 配列番号:15121
hCV25985755 配列番号:15136
hCV25961003 配列番号:15141
hCV25961512 配列番号:15155
hCV27849159 配列番号:15160
hCV25962316 配列番号:15162
hCV25973604 配列番号:15175
hCV25985842 配列番号:15195
hCV27855081 配列番号:15206
hCV25605076 配列番号:15273
hCV27851159 配列番号:15281
hCV25605088 配列番号:15303
hCV25605089 配列番号:15305
hCV25992438 配列番号:15340
hCV25999488 配列番号:15345
hCV25960105 配列番号:15489
hCV25969877 配列番号:15652
hCV27830226 配列番号:15683
hCV25610926 配列番号:15696
hCV25760795 配列番号:15701
hCV25610993 配列番号:15707
hCV27830226 配列番号:15712
hCV25610926 配列番号:15726
hCV25760795 配列番号:15739
hCV25610993 配列番号:15744
hCV27853077 配列番号:15779
hCV27853078 配列番号:15781

hCV25986203 配列番号:15787
hCV25987993 配列番号:15821
hCV25751834 配列番号:15853
hCV25618501 配列番号:15857
hCV25618506 配列番号:15858
hCV25758546 配列番号:15862
hCV25618494 配列番号:15876
hCV25760050 配列番号:15881
hCV25753052 配列番号:15887
hCV25618513 配列番号:15889
hCV25755032 配列番号:15891
hCV25751834 配列番号:15900
hCV25758546 配列番号:15919
hCV25618494 配列番号:15961
hCV25618495 配列番号:15962
hCV25618499 配列番号:15966
hCV25760050 配列番号:15968
hCV25753052 配列番号:15971
hCV25756034 配列番号:15983
hCV25618500 配列番号:15987
hCV25618501 配列番号:15988
hCV25618506 配列番号:15997
hCV25618508 配列番号:16003
hCV25758911 配列番号:16017
hCV25620985 配列番号:16031
hCV25751127 配列番号:16051
hCV25759776 配列番号:16063
hCV25750371 配列番号:16065
hCV25758983 配列番号:16087
hCV25753860 配列番号:16090
hCV25623494 配列番号:16218
hCV25623495 配列番号:16219
hCV25623496 配列番号:16221
hCV25623505 配列番号:16249
hCV25623506 配列番号:16250
hCV25982803 配列番号:16276
hCV25982954 配列番号:16295
hCV27840398 配列番号:16306
hCV25985759 配列番号:16309
hCV25623494 配列番号:16314
hCV25982095 配列番号:16316
hCV25623495 配列番号:16318
hCV25623496 配列番号:16321
hCV25984282 配列番号:16350
hCV25982931 配列番号:16352
hCV25983771 配列番号:16357
hCV25984794 配列番号:16368
hCV25985381 配列番号:16380
hCV25983132 配列番号:16390
hCV25999197 配列番号:16411

hCV25921783 配列番号:16437
hCV25921936 配列番号:16476
hCV25997835 配列番号:16501
hCV25998569 配列番号:16511
hCV25994429 配列番号:16520
hCV25992837 配列番号:16545
hCV25627605 配列番号:16555
hCV25627606 配列番号:16558
hCV25627613 配列番号:16566
hCV25627614 配列番号:16568
hCV25995761 配列番号:16578
hCV25997835 配列番号:16585
hCV25998569 配列番号:16595
hCV25994429 配列番号:16603
hCV25999197 配列番号:16610
hCV25992837 配列番号:16621
hCV25627605 配列番号:16629
hCV25627614 配列番号:16639
hCV25921936 配列番号:16654
hCV25958063 配列番号:16665
hCV27851697 配列番号:16669
hCV25962455 配列番号:16676
hCV25962457 配列番号:16677
hCV25970908 配列番号:16678
hCV25973830 配列番号:16686
hCV25969329 配列番号:16691
hCV25974005 配列番号:16692
hCV25972623 配列番号:16694
hCV25630885 配列番号:16701
hCV25630886 配列番号:16704
hCV27848487 配列番号:16745
hCV25952648 配列番号:16751
hCV25630885 配列番号:16759
hCV25956640 配列番号:16761
hCV25630886 配列番号:16762
hCV25958714 配列番号:16767
hCV25939013 配列番号:16769
hCV25972268 配列番号:16789
hCV25968433 配列番号:16817
hCV25769002 配列番号:16819
hCV27848487 配列番号:16823
hCV25952648 配列番号:16828
hCV25630885 配列番号:16834
hCV25956640 配列番号:16836
hCV25630886 配列番号:16837
hCV25939013 配列番号:16843
hCV25968433 配列番号:16894
hCV25769002 配列番号:16896
hCV27848487 配列番号:16900
hCV25952648 配列番号:16905

hCV25630883 配列番号:16907
hCV25630879 配列番号:16938
hCV25952190 配列番号:16948
hCV25952648 配列番号:16961
hCV25623505 配列番号:17028
hCV25623506 配列番号:17029
。

【図面の簡単な説明】

【０３８７】

【図１】図１は、コンピュータ読み取り可能な形態の本発明のＳＮＰ情報を含む、コンピュータに基づく検出システムの線図による表示を提供する。

【図２】（表５である）

【図３－１】（表６の１頁目である）

【図３－２】（表６の２頁目である）

【図１】

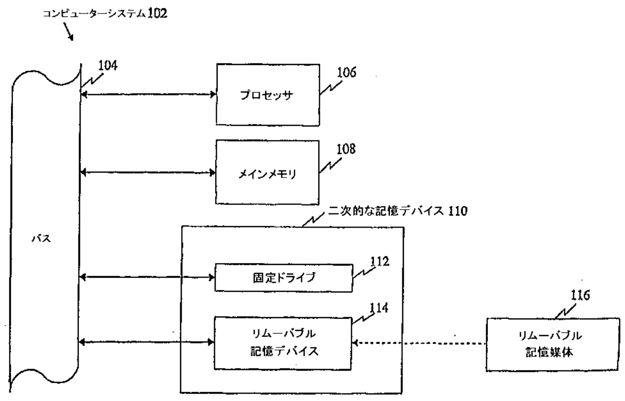
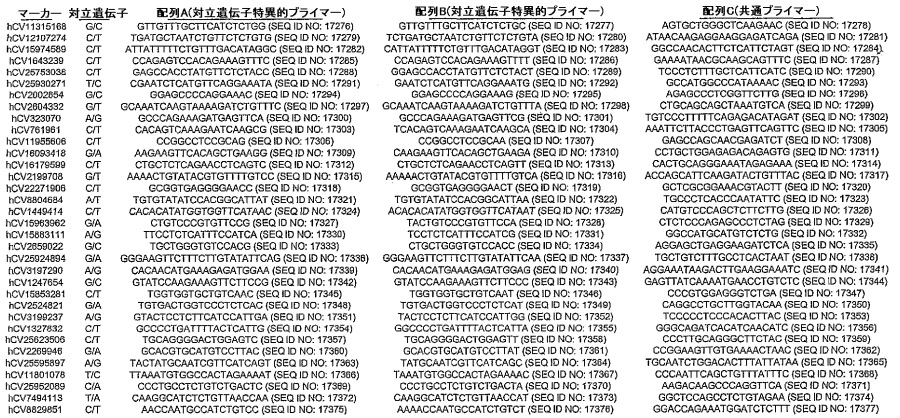


FIGURE 1

【図２】

表５



マーカー	対立遺伝子	配列A(対立遺伝子特異的プライマー)	配列B(対立遺伝子特異的プライマー)	配列C(共通プライマー)
hCV11315168	G/C	GTTGTTTGCTTCATCTCTGG (SEQ ID NO: 17276)	GTTGTTTGCTTCATCTCTGC (SEQ ID NO: 17277)	AGTGCTGGGCTCAAGAAC (SEQ ID NO: 17278)
hCV12107274	C/T	TGATGCTAATCTGTTCTCTGTG (SEQ ID NO: 17279)	TCTGATGCTAATCTGTTCTCTGTA (SEQ ID NO: 17280)	ATAACAAGAGGAAGGAGATCAGA (SEQ ID NO: 17281)
hCV15974589	C/T	ATTATTTTTCTGTTTGACATAGGC (SEQ ID NO: 17282)	CATTATTTTTCTGTTTGACATAGGT (SEQ ID NO: 17283)	GGCCAACACTTCTCATTCTAGT (SEQ ID NO: 17284)
hCV1643239	C/T	CCAGAGTCCACAGAAAGTTTC (SEQ ID NO: 17285)	CCAGAGTCCACAGAAAGTTTT (SEQ ID NO: 17286)	GAAAATAACGCAAGCAGTTTC (SEQ ID NO: 17287)
hCV25753038	C/T	GAGCCACCTATGTTCTCTACC (SEQ ID NO: 17288)	GGAGCCACCTATGTTCTCTACT (SEQ ID NO: 17289)	TCCCTCTTTGCTCATTCATC (SEQ ID NO: 17290)
hCV25930271	T/C	CGAATCTCATGTTCAGGAAATA (SEQ ID NO: 17291)	GAATCTCATGTTCAGGAAATG (SEQ ID NO: 17292)	GCCATGGCCCATAAAAC (SEQ ID NO: 17293)
hCV2002654	G/C	GGAGCCCCAGGAAAC (SEQ ID NO: 17294)	GGAGCCCCAGGAAAG (SEQ ID NO: 17295)	AGAGCCCTCGGTTCTTG (SEQ ID NO: 17296)
hCV2604332	G/T	GCAAATCAAGTAAAAGATCTGTTTC (SEQ ID NO: 17297)	GCAAATCAAGTAAAAGATCTGTTTA (SEQ ID NO: 17298)	CTGCAGCAGCTAAATGTCA (SEQ ID NO: 17299)
hCV323070	A/G	GCCCAGAAAGATGAGTTCA (SEQ ID NO: 17300)	GCCCAGAAAGATGAGTTCG (SEQ ID NO: 17301)	TGTCCCTTTTTCAGAGACATAGAT (SEQ ID NO: 17302)
hCV761961	C/T	CACAGTCAAAGAATCAAGCG (SEQ ID NO: 17303)	TCACAGTCAAAGAATCAAGCA (SEQ ID NO: 17304)	AAATTCTTACCCTGAGTTCAGTTC (SEQ ID NO: 17305)
hCV11955606	C/T	CCGGCCTCCGCAG (SEQ ID NO: 17306)	CCGGCCTCCGCAA (SEQ ID NO: 17307)	GAGCCAGCAACGAGATCT (SEQ ID NO: 17308)
hCV16093418	G/A	AAGAAGTTCACAGCTGAAGG (SEQ ID NO: 17309)	CAAGAAGTTCACAGCTGAAGA (SEQ ID NO: 17310)	CCTGCTGGAGAGACAGAGTG (SEQ ID NO: 17311)
hCV16179599	C/T	CTGCTCTCAGAACCTCAGTC (SEQ ID NO: 17312)	CTGCTCTCAGAACCTCAGTT (SEQ ID NO: 17313)	CACTGCAGGGAAATAGAGAAA (SEQ ID NO: 17314)
hCV2199708	G/T	AAAACTGTATACGTGTTTTGTCC (SEQ ID NO: 17315)	AAAAACTGTATACGTGTTTTGTCA (SEQ ID NO: 17316)	ACCAGCATTCAAGATACTGTTTAC (SEQ ID NO: 17317)
hCV22271906	C/T	GCGGTGAGGGGAACC (SEQ ID NO: 17318)	GCGGTGAGGGGAACT (SEQ ID NO: 17319)	GCTCGCGGAAACGTACTT (SEQ ID NO: 17320)
hCV8804684	A/T	TGTGTATATCCACGGCATTAT (SEQ ID NO: 17321)	TGTGTATATCCACGGCATTAA (SEQ ID NO: 17322)	TGCCCTCACCCAATATTC (SEQ ID NO: 17323)
hCV1449414	C/T	CACACATATGGTGGTTCATAAC (SEQ ID NO: 17324)	ACACACATATGGTGGTTCATAAT (SEQ ID NO: 17325)	CATGTCCCAGCTCTTCTTG (SEQ ID NO: 17326)
hCV15963962	G/A	CTGTCCCGTGTTCCG (SEQ ID NO: 17327)	TACTGTCCCGTGTTCCA (SEQ ID NO: 17328)	CTCTCCCAGAGCCCTCTAG (SEQ ID NO: 17329)
hCV15883111	A/G	TTCCTCTCATTTCCATCA (SEQ ID NO: 17330)	TCCTCTCATTTCCATCG (SEQ ID NO: 17331)	GGCCATGCATGTCTCTG (SEQ ID NO: 17332)
hCV2659022	G/C	TGCTGGGTGTCCACG (SEQ ID NO: 17333)	CTGCTGGGTGTCCACC (SEQ ID NO: 17334)	AGGAGCTGAGGAAGATCTCA (SEQ ID NO: 17335)
hCV25924894	G/A	GGGAAGTTCTTTCTTGTATATTCAG (SEQ ID NO: 17336)	GGGAAGTTCTTTCTTGTATATTCAA (SEQ ID NO: 17337)	TGCTGTCTTTGCCTCACTAAT (SEQ ID NO: 17338)
hCV3197290	A/G	CACAACATGAAAGAGATGGAA (SEQ ID NO: 17339)	CACAACATGAAAGAGATGGAG (SEQ ID NO: 17340)	AGGAAATAAGACTTGAAGGAAATC (SEQ ID NO: 17341)
hCV1247654	G/C	GTATCCAAGAAAGTTCTTCCG (SEQ ID NO: 17342)	GTATCCAAGAAAGTTCTTCCC (SEQ ID NO: 17343)	GAGTTATCAAAATGAACCTGTCTC (SEQ ID NO: 17344)
hCV15853281	C/T	TGGTGGTGCTGTCAAC (SEQ ID NO: 17345)	TGGTGGTGCTGTCAAT (SEQ ID NO: 17346)	CCCGTGGAGGGTCTGA (SEQ ID NO: 17347)
hCV2524821	G/A	TGTGACTGGTCCCTCTCAC (SEQ ID NO: 17348)	TGTGACTGGTCCCTCTCAT (SEQ ID NO: 17349)	CAGGCCTGCTTGGTACAA (SEQ ID NO: 17350)
hCV3199237	A/G	GTACTCCTCTTCATCCATTGA (SEQ ID NO: 17351)	TACTCCTCTTCATCCATTGG (SEQ ID NO: 17352)	TCCCCCTCCCACACTTAC (SEQ ID NO: 17353)
hCV1327832	C/T	GCCCCTGATTTTACTCATTG (SEQ ID NO: 17354)	GGCCCCTGATTTTACTCATTA (SEQ ID NO: 17355)	GGGCAGATCACATCAACATC (SEQ ID NO: 17356)
hCV25623506	C/T	TGCAGGGGACTGGAGTC (SEQ ID NO: 17357)	TGCAGGGGACTGGAGTT (SEQ ID NO: 17358)	CCCTTGCAGGGCTTCTAC (SEQ ID NO: 17359)
hCV2269946	G/A	GCACGTGCATGTCCTTAC (SEQ ID NO: 17360)	GCACGTGCATGTCCTTAT (SEQ ID NO: 17361)	CCGGAAGTTGTGAAAACTAAC (SEQ ID NO: 17362)
hCV25595897	A/G	TACTATGCAATCGTTCATCAGT (SEQ ID NO: 17363)	TATGCAATCGTTCATCAGC (SEQ ID NO: 17364)	TGCAATCTGGACACTTTATTATAA (SEQ ID NO: 17365)
hCV11801078	T/C	TTAAATGTGGCCACTAGAAAAT (SEQ ID NO: 17366)	TAAATGTGGCCACTAGAAAAC (SEQ ID NO: 17367)	CCCAATTCAGCTGTTTATTTC (SEQ ID NO: 17368)
hCV25952089	C/A	CCCTGCCTCTGTCTGACTC (SEQ ID NO: 17369)	CCCTGCCTCTGTCTGACTA (SEQ ID NO: 17370)	AAGACAAGCCCAGGTTCA (SEQ ID NO: 17371)
hCV7494113	T/A	CAAGGCATCTCTGTTAACCAA (SEQ ID NO: 17372)	CAAGGCATCTCTGTTAACCAT (SEQ ID NO: 17373)	GGCTCCAGCCTCTGTAGAA (SEQ ID NO: 17374)
hCV8829851	C/T	AACCAATGCCATCTGTCC (SEQ ID NO: 17375)	AAAACCAATGCCATCTGTCT (SEQ ID NO: 17376)	GGACCAGAAATGGATCTCTTT (SEQ ID NO: 17377)

【図３－１】

表6　2頁中1頁

				CCF サンプル				UCSF サンプル			
SNP マーカー	遺伝子名	対立遺伝子	形態	設計	層	P値	OR	設計	層	P値	OR
hCV11315168	ROS1	G	allelic	A	ALL	0.016	0.78	A	ALL	0.007	0.80
hCV12107274	TAS2R50	T	allelic	B	ALL	0.086	0.80	A	ALL	0.004	0.80
hCV15974589	MLF1	T	allelic	B	ALL	0.056	0.79	B	M	0.051	0.79
hCV1643239	PPARGC1A	T	allelic	B	ALL	0.084	0.81	B	SMOKE	0.070	0.81
hCV25753038	AQP10	C	優性	B	ALL	0.018	0.51	A	ALL	0.082	0.69
hCV25930271	none	T	allelic	B	ALL	1.0E-04	0.18	A	ALL	0.018	0.56
hCV2002654	none	G	allelic	B	ALL	0.074	1.24	A	ALL	0.00012	1.32
hCV2604332	GRM8	T	allelic	B	ALL	0.00003	1.80	A	ALL	0.006	1.27
hCV323070	KIAA0992	G	allelic	A	ALL	0.021	1.24	A	ALL	0.007	1.22
hCV761961	FABP2	T	allelic	A	ALL	0.025	1.25	A	SMOKE	0.059	1.23
hCV11955606	RANGNRF	T	allelic	A	ALL	0.061	1.26	B	ALL	0.002	1.31
hCV16093418	none	G	allelic	A	ALL	0.065	1.34	A	F	0.024	1.41
hCV16179599	HARS	T	劣性	C	F	0.024	1.35	A	F	0.046	1.30
hCV2199708	CHCHD3	T	劣性	B	F	0.021	0.73	B	F	0.016	0.83
hCV22271906	BRD2	T	優性	B	F	0.035	0.38	A	ALL	0.068	0.68
hCV8804684	none	T	優性	A	M	0.027	0.60	A	M	0.020	0.63
hCV1449414	OR13G1	C	allelic	A	ALL	0.002	1.32	A	ALL	0.051	1.148406
hCV15963962	P2RXL1	G	allelic	A	ALL	0.026	0.78	A	ALL	0.034	0.83
hCV15883111	BTNL8	G	優性	B	ALL	0.027	1.33	A	ALL	0.038	1.12
hCV2659022	GIPR	G	劣性	A	M	0.048	1.32	A	M	0.007	1.42
hCV25924894	SERPINA9	G	allelic	B	ALL	0.033	0.76	A	ALL	0.058	0.86
hCV3197290	ACCN1	G	allelic	C	ALL	9.7E-05	1.637	A	ALL	0.022	1.310294
hCV1247654	NDP52	G	allelic	C	M	0.033	0.793	A	ALL	0.038	0.821347
hCV15853281	ALDH4A1	T	allelic	C	M	0.034	1.362	A	M	0.014	1.455775
hCV2524821	FLJ10547	G	allelic	C	M	0.047	0.692	A	ALL	0.027	0.693215
hCV3199237	LRRC25	G	allelic	C	ALL	0.003	1.326	A	ALL	0.032	1.1966
hCV1327832	none	T	allelic	C	ALL	0.010	1.263	A	ALL	0.047	1.170867
hCV25623506	LTK	T	allelic	C	ALL	0.039	1.479	A	ALL	0.007	1.488856
hCV2269946	none	G	allelic	C	ALL	0.018	0.804	A	ALL	0.031	0.838663
hCV25595897	C10orf68	G	allelic	C	ALL	0.002	0.156	A	ALL	0.046	0.535958
hCV11801078	BACH1	C	allelic	C	ALL	0.099	1.22	A	ALL	0.085	1.13
hCV25952089	LY6G5B	C	allelic	B	ALL	0.003	2.66	A	ALL	0.040	1.50
hCV7494113	PGLYRP2	T	優性	B	ALL	0.040	1.27	A	ALL	0.003	1.31
hCV8829851	none	T	劣性	A	F	0.016	1.52	A	F	0.079	1.16

【図３－２】

表6　2頁中2頁

CCF 設計	
A	MI 症例　対 MI なしおよび50%未満の狭窄コントロール
B	MI 症例　対 MI なしおよび検出不能の狭窄コントロール
C	MI 症例　対 MI なしのコントロール

UCSF 設計	
A	MI 症例　対 MI なしのコントロール、狭窄の可能性あり
B	非成熟のMI 症例　対 高齢のMIなしのコントロール

層	
ALL	非層別化分析
M	男性
F	女性
SMOKE	過去または現在のタバコ使用者

【配列表】

2009521905000001.app

【国際調査報告】

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

Inte nal Application No
PCT/US2005/007453

A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER
C12Q1/68

According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC

B. FIELDS SEARCHED

Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols)
C12Q

Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched

Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practical, search terms used)

EPO-Internal, WPI Data, CHEM ABS Data, BIOSIS, Sequence Search, PAJ, EMBASE

C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category °	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	WU J K ET AL: "Increased expression in human astrocytomas of a 100 kDa protein with sequence homology to the ros tyrosine kinase domain." NEUROLOGICAL RESEARCH. OCT 1993, vol. 15, no. 5, October 1993 (1993-10), pages 316-320, XP009058928 ISSN: 0161-6412 abstract	11,12,24

-/--

☒ Further documents are listed in the continuation of box C.　　☒ Patent family members are listed in annex.

° Special categories of cited documents :

"A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance

"E" earlier document but published on or after the international filing date

"L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)

"O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means

"P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed

"T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention

"X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone

"Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art.

"&" document member of the same patent family

Date of the actual completion of the international search 30 December 2005	Date of mailing of the international search report 21. 06. 2006
Name and mailing address of the ISA European Patent Office, P.B. 5818 Patentlaan 2 NL - 2280 HV Rijswijk Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl, Fax: (+31-70) 340-3016	Authorized officer Celler, J

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International Application No
PCT/US2005/007453

C.(Continuation) DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		
Category °	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
A	CAMBIEN F ET AL: "Sequence diversity in 36 candidate genes for cardiovascular disorders." AMERICAN JOURNAL OF HUMAN GENETICS. JUL 1999, vol. 65, no. 1, July 1999 (1999-07), pages 183-191, XP002359028 ISSN: 0002-9297 abstract	1-26
A	OHNISHI Y ET AL: "Identification of 187 single nucleotide polymorphisms (SNPs) among 41 candidate genes for ischemic heart disease in the Japanese population." HUMAN GENETICS. MAR 2000, vol. 106, no. 3, March 2000 (2000-03), pages 288-292, XP002359029 ISSN: 0340-6717 abstract	1-26
A	WO 2004/015100 A (RIKEN; TANAKA, TOSHIHIRO; OHNISHI, YOZO; OZAKI, KOICHI; IIDA, ARITOSHI) 19 February 2004 (2004-02-19) abstract	1-26
A	BORJESSON M ET AL: "A NOVEL POLYMORPHISM IN THE GENE CODING FOR THE BETA1-ADRENERGIC RECEPTOR ASSOCIATED WITH SURVIVAL IN PATIENTS WITH HEART FAILURE" EUROPEAN HEART JOURNAL, THE EUROPEAN SOCIETY OF CARDIOLOGY, vol. 21, no. 22, November 2000 (2000-11), pages 1853-1858, XP009001771 ISSN: 0195-668X abstract	1-26
T	SHIFFMAN DOV ET AL: "Identification of four gene variants associated with myocardial infarction." AMERICAN JOURNAL OF HUMAN GENETICS. OCT 2005, vol. 77, no. 4, October 2005 (2005-10), pages 596-605, XP002359030 ISSN: 0002-9297 the whole document	1-26

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.
PCT/US2005/007453

Box II Observations where certain claims were found unsearchable (Continuation of item 2 of first sheet)

This International Search Report has not been established in respect of certain claims under Article 17(2)(a) for the following reasons:

1. ☒ Claims Nos.: 1-26(PARTLY)
because they relate to subject matter not required to be searched by this Authority, namely:

see FURTHER INFORMATION sheet PCT/ISA/210

2. ☒ Claims Nos.: 1-26(partly)
because they relate to parts of the International Application that do not comply with the prescribed requirements to such an extent that no meaningful International Search can be carried out, specifically:

see FURTHER INFORMATION sheet PCT/ISA/210

3. ☐ Claims Nos.:
because they are dependent claims and are not drafted in accordance with the second and third sentences of Rule 6.4(a).

Box III Observations where unity of invention is lacking (Continuation of item 3 of first sheet)

This International Searching Authority found multiple inventions in this international application, as follows:

see additional sheet

1. ☐ As all required additional search fees were timely paid by the applicant, this International Search Report covers all searchable claims.

2. ☐ As all searchable claims could be searched without effort justifying an additional fee, this Authority did not invite payment of any additional fee.

3. ☐ As only some of the required additional search fees were timely paid by the applicant, this International Search Report covers only those claims for which fees were paid, specifically claims Nos.:

4. ☒ No required additional search fees were timely paid by the applicant. Consequently, this International Search Report is restricted to the invention first mentioned in the claims; it is covered by claims Nos.:

1-26 (partly)

Remark on Protest

☐ The additional search fees were accompanied by the applicant's protest.

☐ No protest accompanied the payment of additional search fees.

International Application No. PCT/US2005 /007453

FURTHER INFORMATION CONTINUED FROM PCT/ISA/ 210

This International Searching Authority found multiple (groups of) inventions in this international application, as follows:

1. claims: 1-26 (partly)

   Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 1 of present Tble 6 (ROS1).

   ---

2. claims: 1-26 (partly)

   Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 2 of present Tble 6 (TASP2R50).

   ---

3. claims: 1-26 (partly)

   Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 3 of present Tble 6 (MLF1).

   ---

4. claims: 1-26 (partly)

   Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 4 of present Tble 6 (PPARGC1A).

   ---

5. claims: 1-26 (partly)

   Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 5 of present Tble 6 (AQP10).

   ---

6. claims: 1-26 (partly)

   Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 6 of present Tble 6 (none).

   ---

7. claims: 1-26 (partly)

   Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 7 of present Tble 6 (none).

   ---

8. claims: 1-26 (partly)

   Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 8 of present Tble 6 (GRM8).

   ---

9. claims: 1-26 (partly)

   Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 9 of present Tble 6 (KIAA0992).

FURTHER INFORMATION CONTINUED FROM PCT/ISA/ 210

---

10. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 10 of present Tble 6 (FABP2).

---

11. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 11 of present Tble 6 (RANGNRF).

---

12. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 12 of present Tble 6 (NONE).

---

13. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 13 of present Tble 6 (HARS).

---

14. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 14 of present Tble 6 (CHCHD3).

---

15. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 15 of present Tble 6 (BRD2).

---

16. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 16 of present Tble 6 (NONE).

---

17. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 17 of present Tble 6 (OR13G1).

---

18. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 18 of present Tble 6 (P2RXL1).

International Application No. PCT/US2005 /007453

FURTHER INFORMATION CONTINUED FROM PCT/ISA/ 210

19. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 19 of present Tble 6 (BTNL8).

---

20. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 20 of present Tble 6 (GIPR).

---

21. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 21 of present Tble 6 (SERPINA9).

---

22. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 22 of present Tble 6 (ACCN1).

---

23. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 23 of present Tble 6 (NDP52).

---

24. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 24 of present Tble 6 (ALDH4A1).

---

25. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 25 of present Tble 6 (FLJ10547).

---

26. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 26 of present Tble 6 (LRRC25).

---

27. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 27 of present Tble 6 (NONE).

FURTHER INFORMATION CONTINUED FROM PCT/ISA/ 210

28. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 28 of present Tble 6 (LTK).

---

29. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 29 of present Tble 6 (NONE).

---

30. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 30 of present Tble 6 (C10ORF68).

---

31. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 31 of present Tble 6 (BACH1).

---

32. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 32 of present Tble 6 (LY6G5B).

---

33. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 33 of present Tble 6 (PGLYRP2).

---

34. claims: 1-26 (partly)

Subject matters of claims 1-26 (partly) as relating to the gene number 34 of present Tble 6 (NONE).

FURTHER INFORMATION CONTINUED FROM PCT/ISA/ 210

Continuation of Box II.1

Claims Nos.: 1-26(PARTLY)

According to Table 6, raftered to in present Claim 25, the present application relates to 34 further genes which are characterised by the occurrence of SNPs associated with MI. Each and every gene of said table represents a separate solution to the objective technical problem of the provision of further genes characterised by the occurrence of SNPs associated with MI. (For details see the reasoning for the lack of unity objection). At this stage the search report is being draterd in reagard to the first invention mentioned in the claims, which in the pesent case amounts to the first gene of Table 6, i.e. ROS1 that is associated with SNPMArker hCCl1315168.

The information necessary to assign the SNPs of the present application disclosed as SEQ ID NOs 1-126 and 253-17275 to the corresponding gens disclose in present Table 6 appears to be contained in Tables 1, 2, 3 and 4 (page 13 and 14 of the description).
Said Tables 1, 2, 3 and 4 have been allegedly provided on a disc accompanying the application. Said disc was obtained by the Examiner conducting the examination, however, it turned out not to be readable. Moreover, Rule 11.3 PCT requires that all elements of international application be on paper. Furthermore, Rule 11.10 PCT, states that Tables if part of the application, should be contained in the description.

The present application does not meet these requirements of said Rule 11 PCT, in that said Tables 1-4 are not on paper and are not forming the part of the description. In consequence the information necessary for assigning particular SNP SEQ ID NO to specific genes of the application was not provided in the present disclosure, which in turn, renders it impossible to assign specific SNP SEQ ID NOs to a specific genes of the application while providing a list of separate inventions covered in the present application. Thus, the search report relates to claims 1-26 in so far as said claims relate to the gene ROS1 characterised by the SNP Marker, hCV11315168, which marker according to Table 5 of the applicatin, is characterised by SEQ ID NOs: 17276, 17277 AND 17278. For the above reasons no other SEQ ID NOs could be identified as characterising said gene ROS1 and therefore none other SEQ ID NOs were searched.

Continuation of Box II.2

Claims Nos.: 1-26(partly)

According to Table 6, raftered to in present Claim 25, the present application relates to 34 further genes which are characterised by the occurrence of SNPs associated with MI. Each and every gene of said table represents a separate solution to the objective technical problem of the

FURTHER INFORMATION CONTINUED FROM PCT/ISA/ 210

provision of further genes characterised by the occurrence of SNPs associated with MI. (For details see the reasoning for the lack of unity objection). At this stage the search report is being draterd in reagard to the first invention mentioned in the claims, which in the pesent case amounts to the first gene of Table 6, i.e. ROS1 that is associated with SNPMArker hCC11315168.

The information necessary to assign the SNPs of the present application disclosed as SEQ ID NOs 1-126 and 253-17275 to the corresponding gens disclose in present Table 6 appears to be contained in Tables 1, 2, 3 and 4 (page 13 and 14 of the description).
Said Tables 1, 2, 3 and 4 have been allegedly provided on a disc accompanying the application. Said disc was obtained by the Examiner conducting the examination, however, it turned out not to be readable. Moreover, Rule 11.3 PCT requires that all elements of international application be on paper. Furthermore, Rule 11.10 PCT, states that Tables if part of the application, should be contained in the description.

The present application does not meet these requirements of said Rule 11 PCT, in that said Tables 1-4 are not on paper and are not forming the part of the description. In consequence the information necessary for assigning particular SNP SEQ ID NO to specific genes of the application was not provided in the present disclosure, which in turn, renders it impossible to assign specific SNP SEQ ID NOs to a specific genes of the application while providing a list of separate inventions covered in the present application. Thus, the search report relates to claims 1-26 in so far as said claims relate to the gene ROS1 characterised by the SNP Marker, hCV11315168, which marker according to Table 5 of the applicatin, is characterised by SEQ ID NOs: 17276, 17277 AND 17278. For the above reasons no other SEQ ID NOs could be identified as characterising said gene ROS1 and therefore none other SEQ ID NOs were searched.

The applicant's attention is drawn to the fact that claims relating to inventions in respect of which no international search report has been established need not be the subject of an international preliminary examination (Rule 66.1(e) PCT). The applicant is advised that the EPO policy when acting as an International Preliminary Examining Authority is normally not to carry out a preliminary examination on matter which has not been searched. This is the case irrespective of whether or not the claims are amended following receipt of the search report or during any Chapter II procedure. If the application proceeds into the regional phase before the EPO, the applicant is reminded that a search may be carried out during examination before the EPO (see EPO Guideline C-VI, 8.5), should the problems which led to the Article 17(2) declaration be overcome.

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

Information on patent family members

Interr al Application No
PCT/US2005/007453

Patent document cited in search report	Publication date	Patent family member(s)	Publication date
WO 2004015100 A	19-02-2004	AU 2003254895 A1	25-02-2004
		EP 1536000 A1	01-06-2005