



ФЕДЕРАЛЬНАЯ СЛУЖБА  
ПО ИНТЕЛЛЕКТУАЛЬНОЙ СОБСТВЕННОСТИ

(12) ОПИСАНИЕ ИЗОБРЕТЕНИЯ К ПАТЕНТУ

(52) СПК

C12N 5/0636 (2020.02); C12N 15/867 (2020.02); A61P 35/00 (2020.02)

(21)(22) Заявка: 2017145074, 31.05.2016

(24) Дата начала отсчета срока действия патента:  
31.05.2016

Дата регистрации:  
04.08.2020

Приоритет(ы):

(30) Конвенционный приоритет:  
01.06.2015 GB 1509413.9

(43) Дата публикации заявки: 09.07.2019 Бюл. № 19

(45) Опубликовано: 04.08.2020 Бюл. № 22

(85) Дата начала рассмотрения заявки РСТ на  
национальной фазе: 09.01.2018

(86) Заявка РСТ:  
GB 2016/051576 (31.05.2016)

(87) Публикация заявки РСТ:  
WO 2016/193696 (08.12.2016)

Адрес для переписки:  
190900, Санкт-Петербург, ВОХ 1125, ООО  
"ПАТЕНТИКА"

(72) Автор(ы):

ПЮЛЕ Мартен (GB),  
КОРДОБА Шон (GB),  
ТОМАС Саймон (GB),  
КОНГ Кхай (GB)

(73) Патентообладатель(и):

ЮСиЭл БИЗНЕС ЛТД (GB)

(56) Список документов, цитированных в отчете  
о поиске: WO 2015075468 A1, 28.05.2015. WO  
9640199 A1, 19.12.1996. WO 9731113 A1,  
28.08.1997. NORTHROP J P ET AL,  
Characterization of the roles of SH2 domain-  
containing proteins in T-lymphocyte activation  
by using dominant negative SH2 domains,  
MOLECULAR AND CELLULAR BIOLOGY,  
1996, vol. 16, no. 5, pp.2255-2263. RU 2330884 C2,  
10.08.2008.

(54) КЛЕТКА

(57) Реферат:

Изобретение относится к области биохимии, в частности к цитолитической иммунной клетке, способной уничтожать клетки-мишени, экспрессирующие антиген-мишень, а также к способу ее получения. Также раскрыта композиция, содержащая множество вышеуказанных клеток, а также ее применение в способе лечения злокачественного новообразования. Изобретение также относится к конструкции нуклеиновой кислоты, содержащей: первую последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую химерный

антигенный рецептор, который связывает указанный антиген-мишень; и вторую последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую укороченный белок PTPN6 или SHP-2, который содержит один или оба домена SH2, но в котором отсутствует фосфатазный домен, а также к вектору, содержащему вышеуказанную конструкцию. Изобретение позволяет эффективно осуществлять эффективное лечение злокачественных новообразований с длительным сроком действия. 9 н. и 3 з.п. ф-лы, 16 ил., 6 табл., 4 пр.



FEDERAL SERVICE  
FOR INTELLECTUAL PROPERTY

(51) Int. Cl.  
*C12N 5/0783* (2010.01)  
*C12N 15/867* (2006.01)  
*A61P 35/00* (2006.01)

(12) **ABSTRACT OF INVENTION**

(52) CPC

*C12N 5/0636* (2020.02); *C12N 15/867* (2020.02); *A61P 35/00* (2020.02)(21)(22) Application: **2017145074, 31.05.2016**(24) Effective date for property rights:  
**31.05.2016**Registration date:  
**04.08.2020**

Priority:

(30) Convention priority:  
**01.06.2015 GB 1509413.9**(43) Application published: **09.07.2019 Bull. № 19**(45) Date of publication: **04.08.2020 Bull. № 22**(85) Commencement of national phase: **09.01.2018**(86) PCT application:  
**GB 2016/051576 (31.05.2016)**(87) PCT publication:  
**WO 2016/193696 (08.12.2016)**Mail address:  
**190900, Sankt-Peterburg, BOX 1125, OOO  
"PATENTIKA"**

(72) Inventor(s):

**PYULE Marten (GB),  
KORDOBA Shon (GB),  
TOMAS Sajmon (GB),  
KONG Kkhaj (GB)**

(73) Proprietor(s):

**YUSiEI BIZNES LTD (GB)**(54) **CELL**

(57) Abstract:

FIELD: biochemistry.

SUBSTANCE: invention relates to a cytolytic immune cell capable of destroying target cells expressing an antigen target, as well as a method for production thereof. Also disclosed is a composition comprising a plurality of said cells, as well as use thereof in a method of treating a malignant growth. Invention also relates to a nucleic acid construct comprising: a first nucleic acid sequence encoding a chimeric antigen receptor, which binds said target

antigen; and a second nucleic acid sequence encoding a shortened PTPN6 or SHP-2 protein which contains one or both SH2 domains, but in which there is no phosphatase domain, as well as to vector containing said structure.

EFFECT: invention enables effective effective treatment of malignant new growths with a long period of action.

12 cl, 16 dwg, 6 tbl, 4 ex

## ОБЛАСТЬ ИЗОБРЕТЕНИЯ

Настоящее изобретение относится к слитым белкам и укороченным белкам, позволяющим воздействовать на пути передачи сигнала, распространяющегося после активации иммунных клеток, и модулировать их.

### УРОВЕНЬ ТЕХНИКИ

Адоптивная иммунотерапия с использованием аутологичных Т-клеток включает выделение Т-клеток из пациента с последующей их стимуляцией, модификацией и/или экспансией *ex vivo* для получения популяции Т-клеток, демонстрирующих противоопухолевую специфичность. После повторной инфузии пациенту эти клетки способны распознавать экспрессируемые опухолью антигены и опосредовать отторжение опухоли.

В ряде исследований в различных условиях уже показано, что этот подход обладает потенциалом стать мощным, эффективным лечением злокачественных новообразований с длительным сроком действия. Например, EBV-регулируемые опухоли, такие как лимфопролиферативное заболевание после трансплантации солидных органов, можно эффективно лечить с помощью подвергнутых экспансии *ex vivo* EBV-специфических Т-клеток.

Аналогичная терапия невирусных злокачественных новообразований включает инфилтрирующие опухоль лимфоциты (TIL), выделенные из резецированных фрагментов опухоли, а затем подвергнутые стимуляции и экспансии с использованием аутологичных образцов опухоли. Подвергнутые экспансии культуры Т-клеток, демонстрирующие реактивную способность в отношении опухоли, затем можно повторно инфузировать пациенту.

Вместо селекции и оптимизации специфичности Т-клеток с использованием повторяющегося воздействия антигенов, желаемую противоопухолевую специфичность можно придавать Т-клеткам посредством генной модификации и встраивания опухолеспецифического Т-клеточного рецептора (TCR) или химерного антигенного рецептора (CAR). Эти клетки подвергаются экспансии *ex vivo* для получения достаточных количеств клеток для достижения значимых клинических ответов у пациента.

Однако подходы, подробно описанные выше, имеют ограничения. Например, подвергнутые адоптивному переносу Т-клетки могут демонстрировать ограниченное персистирование и экспансию *in vivo* по причине недостаточной передачи сигнала, отсутствия ИЛ-2 или дифференцировки. В качестве дополнительного примера, подвергнутые адоптивному переносу Т-клетки могут подвергаться воздействию ингибиторных стимулов внутри опухолевого микроокружения. Например, они могут становиться истощенными, подвергаться индуцируемой активацией гибели клеток, являющейся результатом гиперактивации, или могут вызывать специфические для мишени, внеопухолевые эффекты.

Другим многообещающим подходом для активации терапевтического противоопухолевого иммунитета является блокада иммунных контрольных точек. Иммунные контрольные точки относятся к различным ингибиторным путям иммунной системы, важным для поддержания аутоотолерантности и модуляции длительности и величины физиологических иммунных ответов в периферических тканях.

Известно, что опухоли используют конкретные пути иммунных контрольных точек в качестве основного механизма иммунной резистентности, в частности, против Т-клеток, специфических для опухолевых антигенов. Многие из иммунных контрольных точек активируются лиганд-рецепторными взаимодействиями, что означает, что их можно блокировать с помощью антител или модулировать с помощью рекомбинантных

форм лигандов или рецепторов. Антитела против антигена 4, ассоциированного с цитотоксическими Т-лимфоцитами (CTLA4), являлись первыми из этого класса иммунотерапевтических средств, получивших одобрение Управления по санитарному надзору за качеством пищевых продуктов и медикаментов (FDA). Недавно разработаны

5 блокаторы дополнительных белков иммунных контрольных точек, таких как белок программируемой гибели клеток 1 (PD1), и показано, что они усиливают противоопухолевый иммунитет.

Одной из проблем, связанных с использованием ингибиторов иммунных контрольных точек, является то, что существует множество ингибиторных путей, запускаемых

10 множеством лиганд-рецепторных взаимодействий. При использовании антитела или рекомбинантной формы лиганда/рецептора будут лишь блокировать один такой ингибиторный путь, что оставляет возможность того, что опухоль может компенсировать блокаду специфических иммунных контрольных точек с использованием других молекул.

### 15 СУЩНОСТЬ ИЗОБРЕТЕНИЯ

Авторы настоящего изобретения разработали систему для модуляции и/или воздействия на пути передачи сигнала в иммунных клетках, таких как Т-клетки и естественные киллеры (NK).

Внутриклеточные пути передачи сигнала иницируются и контролируются обратимой

20 посттрансляционной модификацией белков. Авторы настоящего изобретения определили, что активирующие и ингибиторные пути передачи сигнала в Т-клетках можно модулировать и/или подвергать воздействию с помощью слитых белков или укороченных белков, содержащих домены SH2 из белков прямой передачи Т-клеточного сигнала. Другими словами, активирующие и ингибиторные пути передачи сигнала в Т-

25 клетках можно модулировать и/или подвергать воздействию с помощью слитых белков или укороченных белков, содержащих домены SH2 из белков, способных связываться с фосфорилированными иммунорецепторными тирозиновыми активирующими мотивами (ITAM) или фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым ингибирующим мотивом (ITIM).

30 Таким образом, в первом аспекте настоящее изобретение относится к клетке, содержащей химерный антигенный рецептор (CAR) и белок, модифицирующий передачу сигнала, выбранный из одного из следующих:

(i) укороченного белка, содержащего домен SH2 из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым активирующим мотивом

35 (ITAM), но в котором отсутствует киназный домен;

(ii) укороченного белка, содержащего домен SH2 из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым ингибирующим мотивом (ITIM), но в котором отсутствует фосфатазный домен;

(iii) слитого белка, содержащего (a) домен SH2 из белка, связывающегося с

40 фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым активирующим мотивом (ITAM), или из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым ингибирующим мотивом (ITIM); и (ii) гетерологичный домен.

Белок, модифицирующий передачу сигнала, может являться укороченным белком, содержащим домен SH2 ZAP70, но в котором отсутствует киназный домен ZAP70.

45 Белок, модифицирующий передачу сигнала, может являться укороченным белком, содержащим SH2 PTPN6, но в котором отсутствует фосфатазный домен PTPN6.

Белок, модифицирующий передачу сигнала, может являться укороченным белком, содержащим домен SH2 SHP-2, но в котором отсутствует фосфатазный домен SHP-2.

Белок, модифицирующий передачу сигнала, может являться слитым белком, содержащим (i) домен SH2 из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым активирующим мотивом (ITAM); и (ii) фосфатазный домен.

5 Слитый белок, например, может содержать домен SH2 ZAP70, фосфатазный домен PTPN6 или SHP-2.

Белок, модифицирующий передачу сигнала, может являться слитым белком, содержащим (i) домен SH2 из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым ингибирующим мотивом (ITIM); и (ii) киназный домен.

Слитый белок может содержать домен SH2 из PTPN6 или SHP-2.

Слитый белок может содержать киназный домен Zap70.

Слитый белок может содержать киназный домен АКТ или JAK.

Белок, модифицирующий передачу сигнала может являться слитым белком, содержащим (i) домен SH2 из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым активирующим мотивом (ITAM), или из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым ингибирующим мотивом (ITIM); и (ii) гетерологичный сигнальный домен.

Слитый белок может содержать домен SH2 из ZAP70, PTPN6 или SHP-2.

20 Гетерологичный сигнальный домен можно получать из сигнальной молекулы, как правило, не активированной рецептором, содержащим ITAM или ITIM.

Гетерологичный сигнальный домен может являться костимуляторным доменом. В связи с этим, слитый белок может содержать костимуляторный домен CD28, OX40 или 41BB.

25 Гетерологичный сигнальный домен может являться ингибиторным доменом. В связи с этим, ингибиторный домен может являться эндодоменом CD148 или CD45 или содержать его. Альтернативно, гетерологичный сигнальный домен является эндодоменом ICOS, CD27, BTLA, CD30, GITR или HVEM или содержит его.

Белок, модифицирующий передачу сигнала, может являться слитым белком, содержащим (i) домен SH2 из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым активирующим мотивом (ITAM); и (ii) ITAM-содержащий домен.

Слитый белок может содержать домен SH2 ZAP70.

35 ITAM-содержащий домен может являться эндодоменом CD3 дзета или содержать его.

Белок, модифицирующий передачу сигнала, может являться слитым белком, содержащим (i) домен SH2 из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым ингибирующим мотивом (ITIM); и (ii) ITIM-содержащий домен.

40 Слитый белок может содержать домен SH2 из PTPN6 или SHP-2.

ITIM-содержащий домен может являться эндодоменом из PD1, PDCD1, BTLA4, LILRB1, LAIR1, CTLA4, KIR2DL1, KIR2DL4, KIR2DL5, KIR3DL1 или KIR3DL3 или содержать его.

Белок, модифицирующий передачу сигнала, может являться слитым белком, содержащим (i) домен SH2 из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым активирующим мотивом (ITAM), или из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым ингибирующим мотивом (ITIM); и (ii) протеазный домен.

Слитый белок может содержать домен SH2 из ZAP70, PTPN6 или SHP-2.

Протеазный домен может являться протеазой вируса гравировки табака (TeV) или содержать ее.

5 Клетка также может содержать мембраносвязанный фактор транскрипции, имеющий участок расщепления протеазой. Расщепление по участку расщепления протеазой может высвобождать фактор транскрипции, что приводит к повышенной экспрессии гена-мишени.

Ген-мишень кодирует цитокин, например, цитокин, выбранный из следующей группы: ИЛ-2, ИЛ-7, ИЛ-15 и ИЛ-12.

10 В этом варианте осуществления химерный антигенный рецептор (CAR) может являться целевым CAR, содержащим внутриклеточный участок расщепления протеазой.

Целевой CAR может содержать активирующий или костимуляторный эндодомен, и расщепление по участку расщепления протеазой приводит к удалению эндодомена из целевого CAR.

15 Альтернативно, целевой CAR может содержать ингибиторный эндодомен, и расщепление по участку расщепления протеазой приводит к удалению ингибиторного эндодомена из целевого CAR. Ингибиторный эндодомен может содержать эндодомен CD148 или CD45.

Клетка по настоящему изобретению может содержать два CAR: активирующий CAR, 20 содержащий ITAM-содержащий эндодомен; и целевой CAR, как определено выше.

Альтернативно, клетка по настоящему изобретению может содержать два CAR: ингибиторный CAR, содержащий ITIM-содержащий эндодомен; и целевой CAR, как определено выше.

Во втором аспекте настоящее изобретение относится к конструкции нуклеиновой 25 кислоты, содержащей:

первую последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую химерный антигенный рецептор; и

вторую последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую укороченный белок или слитый белок, как определено в связи с первым аспектом изобретения.

30 Конструкция нуклеиновой кислоты также может содержать третью последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую мембраносвязанный фактор транскрипции, как определено выше.

Конструкция нуклеиновой кислоты также может содержать третью последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую целевой CAR как определено 35 выше.

Конструкция нуклеиновой кислоты также может содержать четвертую последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую активирующий CAR или ингибиторный CAR, как определено выше.

40 В третьем аспекте вектор, содержащий конструкцию нуклеиновой кислоты по второму аспекту изобретения или первую и вторую и, необязательно, третью и/или четвертую последовательности нуклеиновой кислоты, как определено выше.

Настоящее изобретение также относится к набору векторов, содержащему первую и вторую и, необязательно, третью и/или четвертую, последовательности нуклеиновой кислоты, как определено выше.

45 Вектор или набор векторов могут являться ретровирусными или лентивирусными векторами.

В четвертом аспекте настоящее изобретение относится к фармацевтической композиции, содержащей множество клеток по первому аспекту изобретения.

В пятом аспекте настоящее изобретение относится к фармацевтической композиции по четвертому аспекту изобретения для применения в лечении и/или профилактике заболевания.

В шестом аспекте настоящее изобретение относится к способу лечения и/или профилактики заболевания, включающему стадию введения индивидууму фармацевтической композиции по четвертому аспекту изобретения.

Способ может включать следующие стадии:

- (i) выделение образца, содержащего клетки, из индивидуума;
- (ii) трансдукция или трансфекция клеток с использованием конструкции нуклеиновой кислоты по второму аспекту изобретения, вектора или набора векторов по третьему аспекту изобретения; и
- (iii) введение индивидууму клетки по (ii).

В седьмом аспекте настоящее изобретение относится к применению фармацевтической композиции по четвертому аспекту изобретения в производстве лекарственного средства для лечения и/или профилактики заболевания.

Заболевание может являться злокачественным новообразованием.

В восьмом аспекте настоящее изобретение относится к способу получения клетки по первому аспекту изобретения, включающему стадию встраивания конструкции нуклеиновой кислоты по второму аспекту изобретения, вектора или набора векторов по третьему аспекту изобретения в клетку.

Клетку можно получать из образца, выделенного из индивидуума.

В первом дополнительном аспекте настоящее изобретение также относится к слитому белку, содержащему: (i) домен SH2 ZAP70 или PTPN6; и (ii) гетерологичный домен.

Слитый белок может содержать домен SH2 ZAP70 и ITAM-содержащий домен. ITAM-содержащий домен может являться эндодоменом CD3 дзета или содержать его.

Слитый белок может содержать домен SH2 PTPN6 и ITIM-содержащий домен. ITIM-содержащий домен может являться эндодоменом из PDCD1, BTLA4, LILRB1, LAIR1, CTLA4, KIR2DL1, KIR2DL4, KIR2DL5, KIR3DL1 или KIR3DL3 или содержать его.

Слитый белок может содержать домен SH2 PTPN6, и его можно подвергать слиянию с киназным доменом ZAP70.

Слитый белок может содержать домен SH2 ZAP70, слитый с киназным доменом PTPN6.

Слитый белок может содержать: (i) домен SH2 ZAP70 или PTPN6; и (ii) гетерологичный сигнальный домен.

Гетерологичный сигнальный домен можно получать из сигнальной молекулы, как правило, не активированной ITAM-содержащим рецептором. Гетерологичный сигнальный домен может являться или содержать эндодомен CD28, 41BB или OX40. Гетерологичный сигнальный домен может являться эндодоменом ICOS, CD27, BTLA, CD30, GITR или HVEM или содержать его.

Слитый белок может содержать: (i) домен SH2 ZAP70 или PTPN6; и (ii) киназный домен.

Киназный домен может являться киназным доменом АКТ или JAK или содержать его.

Слитый белок может содержать: (i) домен SH2 ZAP70 или PTPN6; и (ii) протеазный домен.

Протеазный домен может являться протеазой вируса гравировки табака (TeV) или содержать ее.

Во втором дополнительном аспекте настоящее изобретение относится к укороченному

белку, содержащему домен SH2 ZAP70, но в котором отсутствует киназный домен ZAP70.

В третьем дополнительном аспекте настоящее изобретение относится к укороченному белку, содержащему домен SH2 PTPN6, но в котором отсутствует киназный домен PTPN6.

Настоящее изобретение также относится к сигнальной системе, содержащей:

(i) рецептор, содержащий антигенсвязывающий домен, трансмембранный домен и внутриклеточный сигнальный домен, содержащий эндодомен CD3 дзета; и

(ii) слитый белок по первому дополнительному аспекту изобретения, содержащий домен SH2 ZAP70; или укороченный белок по второму дополнительному аспекту изобретения;

где связывание антигена с антигенсвязывающим доменом приводит к связыванию между эндодоменом CD3 дзета и слитым/укороченным белком.

Настоящее изобретение также относится к сигнальной системе, содержащей:

(i) рецептор, содержащий антигенсвязывающий домен, трансмембранный домен и внутриклеточный сигнальный домен, содержащий связывающий домен PTPN6; и

(ii) слитый белок по первому дополнительному аспекту изобретения, содержащий домен SH2 PTPN6; или укороченный белок по третьему дополнительному аспекту изобретения,

где связывание антигена с антигенсвязывающим доменом приводит к связыванию между связывающим доменом PTPN6 и слитым/укороченным белком.

Рецептор может являться Т-клеточным рецептором (TCR) или химерным антигенным рецептором (CAR).

В четвертом дополнительном аспекте настоящее изобретение относится к нуклеиновой кислоте, кодирующей слитый белок по первому дополнительному аспекту настоящего изобретения или укороченный белок по второму или третьему дополнительным аспектам настоящего изобретения.

В пятом дополнительном аспекте настоящее изобретение относится к конструкции нуклеиновой кислоты, содержащей последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую слитый белок, содержащий (i) домен SH2 ZAP70 или PTPN6; и (ii) протеазный домен (например, TeV-домен), и последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую мембраносвязанный фактор транскрипции, содержащий:

(i) мембранную связь;

(ii) участок распознавания протеазы; и

(iii) фактор транскрипции.

В шестом дополнительном аспекте настоящее изобретение относится к конструкции нуклеиновой кислоты, содержащей

(a) последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую слитый белок по первому дополнительному аспекту настоящего изобретения, содержащий домен SH2 PTPN6, или укороченный белок по третьему дополнительному аспекту настоящего изобретения; и

(b) последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую рецептор, содержащий ITIM-содержащий эндодомен.

В седьмом дополнительном аспекте настоящее изобретение относится к конструкции нуклеиновой кислоты, содержащей последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую слитый белок, содержащий (i) домен SH2 ZAP70 или PTPN6; и (ii) протеазный домен (например, TeV-домен), и последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую рецептор, содержащий участок расщепления протеазой.



В восьмом дополнительном аспекте настоящее изобретение относится к конструкции нуклеиновой кислоты, содержащей:

(а) последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую слитый белок, содержащий (i) домен SH2 PTPN6; и (ii) протеазный домен (например, TeV-домен);

5 (b) последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую рецептор, содержащий участок расщепления протеазой; и

(с) последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую рецептор, содержащий ITIM-содержащий эндодомен.

10 Рецептор может являться Т-клеточным рецептором (TCR) или химерным антигенным рецептором (CAR).

Соответственно, в конструкции нуклеиновой кислоты по восьмому аспекту настоящего изобретения последовательность нуклеиновой кислоты (b) может являться Т-клеточным рецептором (TCR) или химерным антигенным рецептором (CAR), содержащим:

15 (i) участок расщепления протеазой между трансмембранным доменом и активирующим эндодоменом; или

(ii) активирующий эндодомен, слитый с ингибиторным эндодоменом посредством участка расщепления протеазой.

20 В девятом дополнительном аспекте настоящее изобретение относится к вектору, содержащему нуклеиновую кислоту по четвертому дополнительному аспекту настоящего изобретения или конструкцию нуклеиновой кислоты по любому из дополнительных аспектов настоящего изобретения с пятого по девятый.

Вектор может являться ретровирусным вектором или лентивирусным вектором.

25 В десятом дополнительном аспекте настоящее изобретение относится к клетке, содержащей слитый белок по первому дополнительному аспекту настоящего изобретения или укороченный белок по второму или третьему дополнительным аспектам настоящего изобретения.

30 В одиннадцатом дополнительном аспекте настоящее изобретение относится к клетке, содержащей (а) слитый белок по первому дополнительному аспекту настоящего изобретения, содержащий домен SH2 PTPN6, или укороченный белок по третьему дополнительному аспекту настоящего изобретения; и (b) рецептор, содержащий ITIM-содержащий эндодомен.

Клетка может являться иммунной клеткой, такой как Т-клетка или естественный киллер (NK).

35 В двенадцатом дополнительном аспекте настоящее изобретение относится к клетке, содержащей слитый белок, содержащий (i) домен SH2 ZAP70 или PTPN6; и (ii) протеазный домен (например, TeV-домен) и рецептор, содержащий участок расщепления протеазой.

В тринадцатом дополнительном аспекте настоящее изобретение относится к клетке, содержащей:

40 (а) слитый белок, содержащий (i) домен SH2 PTPN6; и (ii) протеазный домен (например, TeV-домен);

(b) рецептор, содержащий участок расщепления протеазой; и

(с) рецептор, содержащий ITIM-содержащий эндодомен.

45 Рецептор может являться Т-клеточным рецептором (TCR) или химерным антигенным рецептором (CAR).

Рецептор (b) может являться Т-клеточным рецептором (TCR) или химерным антигенным рецептором (CAR), содержащим:

(i) участок расщепления протеазой между трансмембранным доменом и

активирующим эндодоменом; или

(ii) активирующий эндодомен, слитый с ингибиторным эндодоменом посредством участка расщепления протеазой.

В четырнадцатом дополнительном аспекте настоящее изобретение относится к клетке, содержащей нуклеиновую кислоту по четвертому дополнительному аспекту настоящего изобретения или конструкцию нуклеиновой кислоты по любому из дополнительных аспектов настоящего изобретения с пятого по девятый.

В пятнадцатом дополнительном аспекте настоящее изобретение относится к фармацевтической композиции, содержащей множество клеток по любому из дополнительных аспектов настоящего изобретения с десятого по четырнадцатый.

В шестнадцатом дополнительном аспекте настоящее изобретение относится к фармацевтической композиции по пятнадцатому дополнительному аспекту настоящего изобретения для применения в лечении и/или профилактики заболевания.

В семнадцатом дополнительном аспекте настоящее изобретение относится к способу лечения и/или профилактики заболевания, включающему стадию введения индивидууму фармацевтической композиции по пятнадцатому дополнительному аспекту.

Способ может включать следующие стадии:

(i) выделение образца, содержащего Т-клетки или НК-клетки, из индивидуума;

(ii) трансдукция или трансфекция Т-клеток или НК-клеток с использованием нуклеиновой кислоты по любому из дополнительных аспектов настоящего изобретения с четвертого по девятый или вектора по десятому дополнительному аспекту настоящего изобретения; и

(iii) введение индивидууму Т-клеток или НК-клеток по (ii).

В восемнадцатом дополнительном аспекте настоящее изобретение относится к применению фармацевтической композиции по пятнадцатому дополнительному аспекту настоящего изобретения в производстве лекарственного средства для лечения и/или профилактики заболевания.

Заболевание может являться злокачественным новообразованием.

В девятнадцатом дополнительном аспекте настоящее изобретение относится к набору, содержащему нуклеиновую кислоту по четвертому дополнительному аспекту настоящего изобретения, или конструкцию нуклеиновой кислоты по любому из дополнительных аспектов настоящего изобретения с пятого по восьмой, или вектор по девятому дополнительному аспекту настоящего изобретения.

В двадцатом дополнительном аспекте настоящее изобретение относится к набору, содержащему клетку по любому из дополнительных аспектов настоящего изобретения с десятого по четырнадцатый.

В двадцать первом дополнительном аспекте настоящее изобретение относится к способу получения клетки по любому из дополнительных аспектов настоящего изобретения с десятого по четырнадцатый, включающему стадию встраивания последовательности нуклеиновой кислоты по любому из дополнительных аспектов настоящего изобретения с четвертого по восьмой или вектора по девятому дополнительному аспекту настоящего изобретения в клетку.

Клетку можно получать из образца, выделенного из индивидуума.

Дополнительные аспекты по изобретению суммированы в следующих параграфах:  
A1. Укороченный белок, содержащий домен SH2 из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым активирующим мотивом (ITAM), но в котором отсутствует киназный домен.

A2. Укороченный белок по п.А1, содержащий домен SH2 ZAP70, но в котором

отсутствует киназный домен ZAP70.

B1. Укороченный белок, содержащий домен SH2 из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым ингибирующим мотивом (ITIM), но в котором отсутствует фосфатазный домен.

5 B2. Укороченный белок по п.В1, содержащий домен SH2 PTPN6, но в котором отсутствует фосфатазный домен PTPN6.

B3. Укороченный белок по п.В1, содержащий домен SH2 SHP-2, но в котором отсутствует фосфатазный домен SHP-2.

10 C1. Слитый белок, содержащий (i) домен SH2 из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым активирующим мотивом (ITAM); и (ii) фосфатазный домен.

C2. Слитый белок по п.С1, содержащий домен SH2 ZAP70.

C3. Слитый белок по п.С1 или С2, содержащий фосфатазный домен PTPN6 или SHP-2.

15 D1. Слитый белок, содержащий (i) домен SH2 из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым ингибирующим мотивом (ITIM); и (ii) киназный домен.

D2. Слитый белок по п.Д1, содержащий домен SH2 из PTPN6 или SHP-2.

D3. Слитый белок по п.Д1 или D2, содержащий киназный домен Zap70.

20 D4. Слитый белок по п.Д1 или D2, содержащий киназный домен АКТ или JAK.

E1. Слитый белок, содержащий (i) домен SH2 из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым активирующим мотивом (ITAM), или из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым ингибирующим мотивом (ITIM); и (ii) гетерологичный сигнальный домен.

25 E2. Слитый белок по п.Е1, содержащий домен SH2 из ZAP70, PTPN6 или SHP-2.

E3. Слитый белок по п.Е1 или Е2, где гетерологичный сигнальный домен получают из сигнальной молекулы, как правило, не активированной ITAM- или ITIM-содержащим рецептором.

30 E4. Слитый белок по п.Е1, Е2 или Е3, где гетерологичный сигнальный домен является костимуляторным доменом.

E5. Слитый белок по п.Е4, содержащий костимуляторный домен CD28, OX40 или 41BB.

E6. Слитый белок по п.Е1, Е2 или Е3, где костимуляторный домен является ингибиторным доменом.

35 E7. Слитый белок по п.Е6, где ингибиторный домен содержит эндодомен CD148 или CD45.

E8. Слитый белок по п.Е6, где гетерологичный сигнальный домен является или содержит эндодомен ICOS, CD27, BTLA, CD30, GITR или HVEM.

40 F1. Слитый белок, содержащий (i) домен SH2 из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым активирующим мотивом (ITAM); и (ii) ITAM-содержащий домен.

F2. Слитый белок по п.F1, содержащий домен SH2 ZAP70.

F3. Слитый белок по п.F1 или F2, где ITAM-содержащий домен является эндодоменом CD3 дзета или содержит его.

45 G1. Слитый белок, содержащий (i) домен SH2 из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым ингибирующим мотивом (ITIM); и (ii) ITIM-содержащий домен.

G2. Слитый белок по п.Г1, содержащий домен SH2 из PTPN6 или SHP-2.

G3. Слитый белок по п.G1 или G2, где ITIM-содержащий домен является эндодоменом из PD1, PDCD1, BTLA4, LILRB1, LAIR1, CTLA4, KIR2DL1, KIR2DL4, KIR2DL5, KIR3DL1 или KIR3DL3 или содержит его.

5 Н1. Слитый белок, содержащий (i) домен SH2 из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым ингибирующим мотивом (ITIM), или из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым ингибирующим мотивом (ITIM); и (ii) протеазный домен.

Н2. Слитый белок по п.Н1, содержащий домен SH2 из ZAP70, PTPN6 или SHP-2.

10 Н3. Слитый белок по п.Н1 или Н2, где протеазный домен является протеазой вируса гравировки табака (TeV) или содержит его.

П1. Последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующая укороченный белок по любому из пп.А или В, или слитый белок по любому из пп.С, D, E, F, G или Н.

15 J1. Конструкция нуклеиновой кислоты, содержащая последовательность нуклеиновой кислоты по п.І и последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую химерный антигенный рецептор

J2. Конструкция нуклеиновой кислоты, содержащая последовательность нуклеиновой кислоты по п.І и последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую мембраносвязанный фактор транскрипции, имеющий участок расщепления протеазой.

20 J3. Конструкция нуклеиновой кислоты, содержащая последовательность нуклеиновой кислоты по п.І и последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую целевой CAR, содержащий внутриклеточный участок расщепления протеазой.

К1. Вектор, содержащий последовательность нуклеиновой кислоты по п.І или конструкцию нуклеиновой кислоты по п.І.

25 L1. Клетка, содержащая укороченный белок по любому из пп.А или В или слитый белок по любому из пп.С, D, E, F, G или Н.

M1. Клетка, содержащая слитый белок по любому из пп.Н и мембраносвязанный фактор транскрипции с участком расщепления протеазой.

30 M2. Клетка по п.М1, где расщепление по участку расщепления протеазой приводит к высвобождению фактора транскрипции, что приводит к повышенной экспрессии гена-мишени.

M3. Клетка по п.М2, где ген-мишень кодирует цитокин.

M4. Клетка по п.М3, где цитокин выбран из следующей группы: ИЛ-2, ИЛ-7, ИЛ-15 и ИЛ-12.

35 M5. Клетка, содержащая слитый белок по любому из пп.Н и целевой рецептор (CAR), содержащий внутриклеточный участок расщепления протеазой.

M6. Клетка по п.М5, где целевой CAR содержит активирующий или костимуляторный эндодомен, и расщепление по участку расщепления протеазой приводит к удалению эндодомена из целевого CAR.

40 M7. Клетка по п.М5, где целевой CAR содержит ингибиторный эндодомен, и расщепление по участку расщепления протеазой приводит к удалению ингибиторного эндодомена из целевого CAR.

M8. Клетка по п.М7, где ингибиторный эндодомен содержит эндодомен CD148 или CD45.

45 M9. Клетка, содержащая слитый белок по любому из пп.Н и два CAR: активирующий CAR, содержащий ITAM-содержащий эндодомен; и целевой CAR по любому из пп.М5-М8.

M10. Клетка, содержащая слитый белок по любому из пп.Н и два CAR: ингибиторный CAR, содержащий ITIM-содержащий эндодомен; и целевой CAR по любому из пп.М5-

M8.

Аспекты настоящего изобретения, описанные выше, позволяют модулировать Т-клеточные пути передачи сигнала и изменять их посредством, например, механизмов, описанных в таблице 1.

Таблица 1: Использование модуляции сигнала

Тип	Механизм	Использование
Блокирующий сигнал	ZAP70, SHP-2 или PTPN6 являются укороченными - с сохранением домена SH2 в отдельности	Укороченный ZAP70, SHP-2 или PTPN6 конкурирует с полноразмерными ZAP70, SHP-2 или PTPN6 дикого типа. Т.к. отсутствует сигнал, это будет ингибировать активацию. Использование включает, например, ZAP70, если очень сильный активационный сигнал является вредоносным, или PTPN6 или SHP-2, если эффект ингибиторного сигнала, например, PD1/PDL1, необходимо снизить.
Перекрестный сигнал	SH2 ZAP70, слитый с фосфатазой PTPN6/SHP-2, или PTPN6/SHP-2 SH2, слитый с киназой ZAP70, например.	В этом варианте осуществления SH2 ZAP70 подвергают слиянию с фосфатазой из PTPN6/SHP-2, или наоборот, т.е. домен SH2 PTPN6/SHP-2 подвергают слиянию с киназным доменом ZAP70. Если Т-клетка получает ингибиторный сигнал, она интерпретирует его как возбуждающий сигнал или наоборот.
Усиленный сигнал	ZAP70, слитый с дополнительными доменами ITAM, или PTPN6/SHP-2, слитый с дополнительными доменами ITIM.	Единственный фосфо-ITAM или ITIM приводит к каскаду ITAM или ITIM, что приводит к усиленному сигналу или повышенной чувствительности к антигену.
Обходной сигнал	SH2 ZAP70 или SH2 PTPN6/SHP-2, слитый, например, с эндодоменами CD28, 41BB или киназным доменом AKT, киназным доменом JAK и т.д.	В этом варианте осуществления "нефизиологический" сигнал можно объединять с путем ITAM/ITIM. Таким образом, сигнал ITAM/ITIM может приводить к костимуляторному сигналу или сигналу, такому как AKT или сигнал цитокинового типа
Транскрипционный сигнал	SH2 ZAP70 или SH2 PTPN6/SHP-2, слитый с протеазным доменом, вместе с коэкспрессией мембраносвязанного фактора транскрипции с высвобождением участка расщепления протеазой	В этом варианте осуществления транскрипционный сигнал передается после активации или ингибирования иммунных рецепторов. Такой сигнал может приводить, например, к экспрессии конкретного цитокина после активации или ингибирования Т-клеток.
Стерилизующий сигнал	Домен SH2 ZAP70 или домен SH2 PTPN6/SHP-2, слитый с протеазным доменом; реципрокный рецептор имеет участок расщепления протеазой	В этом варианте осуществления активация или ингибирование рецептора приводит к ингибированию или активации другого рецептора

## КРАТКОЕ ОПИСАНИЕ ЧЕРТЕЖЕЙ

**Фигура 1 (а)** - Диаграмма прямых путей активации Т-клеток. Активация Т-клеточного рецептора приводит к фосфорилированию ITAM. Фосфорилированные ITAM распознаются доменами SH2 ZAP70. После распознавания ZAP70 рекрутируется к околосмембранной области, а затем его киназный домен фосфорилирует LAT. Затем фосфорилированный LAT распознается доменами SH2 GRAP, GRB2 и PLC-γ. (b)

-Диаграмма прямых путей ингибирования Т-клеток. Активация ингибиторного иммунного рецептора, такого как PD1, приводит к фосфорилированию доменов ITIM. Они распознаются доменами SH2 PTPN6. После распознавания PTPN6 рекрутируется к околосмембранной области, а затем его фосфатазный домен дефосфорилирует домены ITAM, ингибирующие иммунную активацию.

**Фигура 2** - Диаграмма системы блокирующих сигналов - а) Гиперэкспрессируется укороченный ZAP70, не содержащий киназный домен. Таким образом, он конкурирует с полноразмерным ZAP70 за ITAM и снижает передачу сигнала ITAM. (b) Гиперэкспрессируется укороченный PTPN6, не содержащий фосфатазный домен, конкурируя за полноразмерный PTPN6, снижающий передачу сигнала ITIM.

**Фигура 3** - Диаграмма системы перекрестных сигналов: (a) SH2 ZAP70 подвергают слиянию с фосфатазой PTPN6, таким образом, он действует, снижая фосфорилирование ITAM; (b) SH2 PTPN6 подвергают слиянию с киназой ZAP70, что приводит к парадоксальной активации в ответ на ингибиторный сигнал.

**Фигура 4** - Диаграмма системы усиленных сигналов: (а) Полноразмерный ZAP70 содержит эндодомен CD3 дзета, прикрепленный к его аминоконцу, таким образом, составляется каскад ITAM. (b) Полноразмерный PTPN6 содержит эндодомен PD1, прикрепленный к его аминоконцу, таким образом, составляется каскад ITIM.

5 **Фигура 5** - Диаграмма примеров системы обходных сигналов: (а) ZAP70, слитый с эндодоменом CD28; (b) ZAP70, слитый с эндодоменом 41BB; (c) ZAP70, слитый с киназой АКТ; (d) домен SH2 PTPN6 подвергают слиянию с эндодоменом 41BB.

**Фигура 6** - Диаграмма иллюстративной системы транскрипционных сигналов: а) Слитый белок ZAP-TeV коэкспрессируется с мембраносвязанным фактором транскрипции, который может высвобождаться от мембраны посредством расщепления его мотива распознавания TeV. Это показано посредством коэкспрессии с CAR CD19. Таким образом, после распознавания CD19 на клетке-мишени Т-клетка становится активированной, и, кроме того, фактор транскрипции становится активным. (b) 10 Альтернативная система с использованием слитого белка PTPN6-TeV вместо него. В этом случае CAR состоит из ITIM-несущего эндодомена. Таким образом, после распознавания CD19 посредством CAR фактор транскрипции становится активным, но не зависит от активации Т-клеток.

**Фигура 7** - Диаграмма системы стерилизующих сигналов: представлены два CAR - один из которых распознает CD19 и является активирующим, и один из которых 20 распознает CD33 и является ингибирующим - эти признаки являются исключительно иллюстративными (а) Элемент "И НЕТ" стерилизующего сигнала; в этом случае слитый белок SH2-TeV рекрутируется к активированному ITIM CAR после его активации. Это приводит к отщеплению ITAM от активирующего CAR, сконструированного таким образом, что участок расщепления TeV соединяет трансмембранный домен с доменом 25 ITAM. Таким образом, ингибируют активирующий CAR. (b) Элемент "И" стерилизующего сигнала: В этом случае слитый белок SH2-TeV рекрутируется к ITIM CAR после его активации. Это приводит к высвобождению фосфатазного домена из активирующего CAR, сконструированного таким образом, что фосфатазу соединяют с его карбокси-концом посредством домена расщепления TeV. Это приводит к 30 конститутивному ингибированию, что позволяет CAR активироваться в присутствии когнатного антигена.

**Фигура 8** - Конструировали несколько слитых белков различных доменов SH2 и киназного домена АКТ: ZAP-AKT, GRAP-AKT, GRB-AKT и PLC-γ.

**Фигура 9** - (а) Окрашивание на фосфо-AKT Т-клеток, трансдуцированных с 35 использованием различных слитых белков SH2/AKT с активацией митогенным антигеном ОКТ3 и без нее. (b) Окрашивание на фосфо-AKT Т-клеток, трансдуцированных с использованием слитого белка ZAP-AKT, улучшенного слитого белка ZAP-AKT, где ZAP и АКТ соединяют гибким линкером, и контрольного ZAP-AKT, где замена R190K приводит к устранению способности ZAP связываться с ITAM. Т-клетки стимулировали 40 ОКТ3 или не стимулировали ОКТ3. Графики FACS наложены на графики для нетрансдуцированных Т-клеток.

**Фигура 10** - (а) Блоттинг фосфо-AKT Т-клеток, активированных повышающимися количествами ОКТ3. (b) Микроскопия ZAP-AKT или контрольных Т-клеток, нестимулированных, стимулированных ОКТ3 или стимулированных ОКТ3 и ИЛ-2. Т-клетки ZAP-AKT, стимулированные только ОКТ3, схожи с нетрансдуцированными Т-клетками, стимулированными ОКТ3 и ИЛ-2.

**Фигура 11** - (а) Вариант осуществления прямого транскрипционного переключателя TeV. Эндодомен CAR CD19 заменяют протеазой TeV. Также коэкспрессируется

мембраносвязанный фактор транскрипции VP16/GAL4. С помощью люциферазного репортера определяют активность VP16/GAL5. (b) Вариант осуществления с ZAP-TeV. Стандартный CAR CD19 коэкспрессируется со слитым белком ZAP-TeV вместе с мембраносвязанным фактором транскрипции.

5 **Фигура 12** - Активность транскрипционных переключателей на основе ZAP-TeV и контроль экспрессии Т-клетки после воздействия CD19-отрицательных (слева) или CD19-положительных (справа) мишеней. Активность измеряют по светоотдаче после добавления люциферазы. Порядок тестируемых условий: (a) CAR против CD19, коэкспрессируемый с ZAP-TeV; (b) CAR против CD19, коэкспрессируемый с неактивным (R190K); (c) CAR против CD19, коэкспрессируемый с ZAP-TeV и мембраносвязанным фактором транскрипции; (d) CAR против CD19, коэкспрессируемый с неактивным (R190K) ZAP-TEV, коэкспрессируемым с мембраносвязанным фактором транскрипции; (e) слитый белок CAR против CD19/TeV, коэкспрессируемый с мембраносвязанным фактором транскрипции; (f) конститутивно активный фактор транскрипции GAL4/VP16.

15 **Фигура 13** - (a) Общая структура CAR: Связывающий домен распознает антиген; спейсер отделяет связывающий домен от поверхности клетки; трансмембранный домен заякоривает белок в мембране, и эндодомен передает сигнал. (b)-(d): различные варианты и перестановки эндодоменов CAR: (b) в исходном дизайне сигналы ITAM передаются в отдельности через FcεR1-γ или эндодомен CD3ζ, в то время как в последнем дизайне передаются дополнительные (c) один или (d) два костимуляторных сигнала в цис-положении.

**Фигура 14** - Иллюстративные белковые последовательности по настоящему изобретению.

**Фигура 15** - Блокада сигнала PD-1 с использованием укороченного SHP-1 (PTPN6) или укороченного SHP-2.

Клетки PBMC контрансдуцировали с использованием PD1 и CAR в отдельности (FMC63); или использовали бицистронную конструкцию, содержащую CAR и укороченный SHP-1 или CAR и укороченный SHP-2. Эти клетки сокультивировали в течение 48 часов с клетками SupT1, трансдуцированными с CD19, PDL1 или и того и другого, и высвобождение ИФНγ измеряли посредством ELISA.

**Фигура 16** - Перехват сигнала PD-1 с использованием слияния доменов SH2 SHP-2 и киназы Zap70.

Клетки PBMC котрансдуцировали с использованием PD1 и CAR в отдельности (FMC63); или использовали бицистронную конструкцию, содержащую CAR и слитый белок, содержащий домены SH2 SHP-2 и киназу ZAP70. Эти клетки сокультивировали в соотношении 1:1 в течение 24 часов с клетками SupT1, трансдуцированными с использованием CD19 или PDL1. Высвобождение ИФНγ измеряли посредством ELISA (A) и уничтожение клеток SupT1 количественно оценивали с помощью FACS (B).

#### ПОДРОБНОЕ ОПИСАНИЕ

#### 40 БЕЛОК

Настоящее изобретение относится к укороченному белку, содержащему домен SH2.

Настоящее изобретение также относится к слитому белку, содержащему (i) домен SH2 и (ii) гетерологичный домен.

Домен SH2 можно получать из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым активирующим мотивом (ITAM), или из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым ингибирующим мотивом (ITIM).

Примером белка, связывающегося с ITAM, является ZAP70. Примеры белков,

связывающихся с ITIM, включают PTPN6 и SHP-2

Таким образом, слитый белок по изобретению содержит домен SH2 и по меньшей мере один дополнительный домен, не присутствующий в белке дикого типа, из которого получали домен SH2.

#### ДОМЕН ГОМОЛОГИИ SRC 2 (SH2)

Внутриклеточные пути передачи сигнала иницируются и контролируются обратимой посттрансляционной модификацией белков, включая фосфорилирование, убиквитинилирование и ацетилирование.

Домены SH2 являются модульными белковыми доменами, служащими в качестве адаптеров и опосредующими белок-белковые взаимодействия посредством связывания с фосфорилированными пептидами в соответствующих белковых партнерах по связыванию, зачастую рецепторами поверхности клетки. Как правило, домены SH2 связываются с фосфорилированными остатками тирозина в контексте более длинного пептидного мотива в белке-мишени, и домены SH2 представляют собой самый большой класс известных рТуг-распознающих доменов.

Хотя у доменов SH2 отсутствует какая-либо присущая им каталитическая активность, они часто соединены с независимыми каталитическими доменами и, таким образом, в ответ на специфический входной сигнал действуют, локализуя эти каталитические домены в конкретные субклеточные локации или вблизи подходящих субстратов, активаторов или ингибиторов. Кроме того, домены SH2 также можно обнаружить связанными с адаптерными белковыми доменами, и, таким образом, они могут участвовать в образовании крупных мультибелковых комплексов.

#### ДЗЕТА-ЦЕПЬ-АССОЦИИРОВАННАЯ ПРОТЕИНКИНАЗА 70 (ZAP70)

ZAP70 является белком, как правило, экспрессирующимся вблизи поверхностной мембраны Т-клеток и естественных киллеров. Он является частью Т-клеточного рецептора (TCR) и играет критическую роль в передаче Т-клеточного сигнала. Его молекулярная масса составляет 70 кДа, и он состоит из 2 N-концевых доменов SH2 и С-концевого киназного домена. Он является частью семейства протеин-тирозинкиназ.

Самой ранней стадией активации Т-клеток является распознавание комплекса пептид-МНС на клетке-мишени посредством TCR. Это исходное событие вызывает связывание киназы Lck с цитоплазматическим хвостом CD3 дзета в комплексе TCR. Затем Lck фосфорилирует остатки тирозина в цитоплазматическом хвосте CD3 дзета, что делает возможным рекрутирование ZAP70. ZAP70 является SH2-содержащей киназой, играющей ключевую роль в активации Т-клеток после вовлечения TCR. Тандемные домены SH2 в ZAP70 связываются с фосфорилированным CD3, что приводит к фосфорилированию и активации ZAP70 посредством Lck или другими молекулами ZAP70 в транс-положении. Затем активный ZAP70 способен фосфорилировать нижележащие мембранные белки, ключевым среди которых является линкер активированных Т-клеток (LAT). LAT является каркасным белком, и его фосфорилирование по множеству остатков позволяет ему взаимодействовать с некоторыми другими белками, содержащими домен SH2, включая Grb2, PLC-g и Ggr, распознающими фосфорилированные пептиды в LAT и передающими сигнал активации Т-клеток ниже, что в конечном итоге приводит к диапазону Т-клеточных ответов. Этот процесс представлен на фигуре 1.

Белок ZAP70 человека имеет регистрационный номер UniProtKB P43403. Эта последовательность составляет аминокислот 619 в длину и представлена как SEQ ID NO: 1.

#### Аминокислотная последовательность ZAP70 (SEQ ID NO: 1)

MPDPAANLPFFYGSISRAEAEHLKLAGMADGLFLLRQCLRSLGGYVLSLVHDVRFH



HFPIERQLNGTYAIAGGKAHCGPAELCEFYSRDPDGLPCNLRKPCNRPSGLEPQPGVFDCLRDAMVRDYYVRQTWKLEGEALEQAIISQAPQVEKLIATTAHERMPWYHSSLTREEAERKLYSGAQTGDKFLLRPRKEQGTYALSLIYGKTVYHYLISQDKAGKYCIPEGTKFDTLWQ  
 5 LVEYLKCLKADGLIYCLKEACPNSSASNASGAAAPTLPANHPSTLTHPQRRIDTLNSDGYTPEPARITSPDKPRPMPMDTSVYESPYSDPEELKDKKLFLKRDNLLIADIELGCGNFGSVRQGVYRMRKKQIDVAIKVLKQGTEKADTEEMMREAQIMHQLDNPYIVRLIGVCQAEALMLVMEMAGGGPLHKFLVGKREEIPVSNVAELLHQVSMGMKYLEEKNFVHRDLAARNVLVNRHYAKISDFGLSKALGADDSYYTARSAGKWPLKWYAPECINFRKFSSRSVDVWSYGV  
 10 TMTWEALSYGQKPYKKMKGPVMAFIEQGKRMECPPECPPELYALMSDCWIYKWEDRPDFTLVEQRMRACTYYSLASKVEGPPGSTQKAEAAACA

Слитый белок по изобретению может содержать домен SH2 ZAP70. Укороченный белок по изобретению может содержать домен SH2 ZAP70 или состоять из нее. В связи с этим, слитый или укороченный белок может содержать последовательность, представленную как SEQ ID NO: 2, или состоять из нее.

15 Полный домен SH2 ZAP70 (SEQ ID NO: 2)

MPDPAANLPPFFYGSISRAEAEHLKLAGMADGLFLLRQCLRSLGGYVLSLVHDVRFH  
 HFPIERQLNGTYAIAGGKAHCGPAELCEFYSRDPDGLPCNLRKPCNRPSGLEPQPGVFDCLRDAMVRDYYVRQTWKLEGEALEQAIISQAPQVEKLIATTAHERMPWYHSSLTREEAER  
 20 KLYSGAQTGDKFLLRPRKEQGTYALSLIYGKTVYHYLISQDKAGKYCIPEGTKFDTLWQLVEYLKCLKADGLIYCLKEACPNSSASNASGAAAPTLPANHPSTLTHP

ZAP70 содержит два домена SH2 на N-конце последовательности, остатки 10-102 и 163-254 последовательности, представленной как SEQ ID NO: 1. Укороченный белок или слитый белок по изобретению может содержать одну или обе последовательности, представленные как SEQ ID NO: 3 и 4.

25 SH2 1 ZAP70 (SEQ ID NO: 3)

FFYGSISRAEAEHLKLAGMADGLFLLRQCLRSLGGYVLSLVHDVRFHHFPIERQLNGTYAIAGGKAHCGPAELCEFYSRDPDGLPCNLRKPC

SH2 2 ZAP70 (SEQ ID NO: 4)

WYHSSLTREEAERKLYSGAQTGDKFLLRPRKEQGTYALSLIYGKTVYHYLISQDKAG  
 30 KYCIPEGTKFDTLWQLVEYLKCLKADGLIYCLKEAC

Слитый белок может содержать вариант SEQ ID NO: 2, 3 или 4, имеющий по меньшей мере 80, 85, 90, 95, 98 или 99% идентичности последовательности, при условии, что вариант последовательности является последовательностью домена SH2, имеющей необходимые свойства. Другими словами, вариант последовательности должен быть  
 35 способен связываться с фосфорилированными остатками тирозина в цитоплазматическом хвосте CD3 дзета, что делает возможным рекрутирование ZAP70.

Способы выравнивания последовательностей хорошо известны в этой области, и их осуществляют с использованием подходящих программ для выравнивания. % идентичности последовательности относится к процентной доли остатков аминокислот  
 40 или нуклеотидов, являющихся идентичными в двух последовательностях, когда они оптимально выровнены. Гомологию или идентичность нуклеотидных и белковых последовательностей можно определять с использованием стандартных алгоритмов, таких как программа BLAST (Basic Local Alignment Search Tool от National Center for Biotechnology Information) с использованием параметров по умолчанию, общедоступная  
 45 на <http://blast.ncbi.nlm.nih.gov>. Другие алгоритмы для определения идентичности или гомологии последовательности включают: LALIGN (<http://www.ebi.ac.uk/Tools/psa/lalign/> и <http://www.ebi.ac.uk/Tools/psa/lalign/nucleotide.html>), AMAS (Analysis of Multiply Aligned Sequences на <http://www.compbio.dundee.ac.uk/Software/Amas/amas.html>), FASTA (<http://>

www.ebi.ac.uk/Tools/sss/fasta/), Clustal Omega (<http://www.ebi.ac.uk/Tools/msa/clustalo/>), SIM (<http://web.expasy.org/sim/>), и EMBOSS Needle ([http://www.ebi.ac.uk/Tools/psa/emboss\\_needle/nucleotide.html](http://www.ebi.ac.uk/Tools/psa/emboss_needle/nucleotide.html)).

В определенных вариантах осуществления слитый белок может содержать домен SH2 ZAP70 и киназный домен ZAP70. Например, слитый белок может содержать последовательность, представленную как SEQ ID NO: 1 или ее вариант, имеющий по меньшей мере 80, 85, 90, 95, 98 или 99% идентичности последовательности.

#### ТИРОЗИН-ПРОТЕИНФОСФАТАЗА НЕРЕЦЕПТОРНОГО ТИПА 6 (PTPN6)

PTPN6 также известен как фосфатаза-1, содержащая домен области гомологии Src 2 (SHP-1). Он является членом семейства белковых тирозинфосфатаз.

Н-концевая область PTPN6 содержит два tandemных домена SH2, опосредующих взаимодействие PTPN6 и его субстратов. С-концевая область содержит тирозин-протеинфосфатазный домен.

PTPN6 способен связываться и распространять сигналы от ряда ингибиторных иммунных рецепторов или ITIM-содержащих рецепторов. Неограничивающие примеры таких рецепторов включают PD1, PDCD1, BTLA4, LILRB1, LAIR1, CTLA4, KIR2DL1, KIR2DL4, KIR2DL5, KIR3DL1 и KIR3DL3.

Белок PTPN6 человека имеет регистрационный номер UniProtKB P29350. Эта последовательность составляет 595 аминокислот в длину и представлена как SEQ ID NO: 5.

#### Аминокислотная последовательность PTPN6 (SEQ ID NO: 5)

MVRWFHRDLSGLDAETLLKGRGVHGSFLARPSRKNQGDFSLSVRVGDQVTHIRIQN  
SGDFYDLYGGEKFATLTELVEYYTQQQGV LQDRDGTIIHLKYPLNCSDPTSERWYHGH  
MSGGQAETLLQAKGEPWTFVLVRESLSQPGDFVLSVLSQDPKAGPGSPLRVTHIKVMCE  
GGRYTVGGLETFDLSTDLVEHFKKTGIEEASGAFVYLRQPYATRVNAADIENRVLELN  
KKQES EDTAKAGFWEEFESLQKQEVKNLHQRLEGQRPENKGKNRYKNILPFDHSRVIL  
QGRDSNIPGSDYINANYIKNQLLGPDENAKTYIASQGCLEATVNDFWQMAWQENS RVI  
VMTTREVVEKGRNKCVPYWPVEVGMQRAYGPYSVTNCGEHD TTEYKLRTLQVSPLDNGD  
LIREIWHYQYLSWPDHGVSEP GGGVLSFLDQINQRQESLPHAGPIIVHCSAGIGRTGTIIVI  
DMLMENISTKGLDCDIDIQKTIQMVRAQRSGMVQTEAQYKFIYVAIAQFIETTKKKLEV  
LQSQKGQSEYGNITYPPAMKNAHAKASRTSSKHKEDVYENLHTKNKREEKVKKQRS  
ADKEKSKGSLKRK

Слитый белок по изобретению может содержать домен SH2 PTPN6. Укороченный белок по изобретению может содержать домен SH2 PTPN6 или состоять из него. В связи с этим, слитый или укороченный белок может содержать последовательность, представленную как SEQ ID NO: 6, или состоять из нее.

#### Полный домен SH2 PTPN6 (SEQ ID NO: 6)

MVRWFHRDLSGLDAETLLKGRGVHGSFLARPSRKNQGDFSLSVRVGDQVTHIRIQN  
SGDFYDLYGGEKFATLTELVEYYTQQQGV LQDRDGTIIHLKYPLNCSDPTSERWYHGH  
MSGGQAETLLQAKGEPWTFVLVRESLSQPGDFVLSVLSQDPKAGPGSPLRVTHIKVMCE  
GGRYTVGGLETFDLSTDLVEHFKKTGIEEASGAFVYLRQPY

PTPN6 содержит два домена SH2 на N-конце последовательности, остатки 4-100 и 110-213 последовательности, представленной как SEQ ID NO: 5. Укороченный белок или слитый белок по изобретению может содержать одну или обе последовательности, представленные как SEQ ID NO: 3 и 4.

#### SH2 1 PTPN6 (SEQ ID NO: 7)

WFHRDLSGLDAETLLKGRGVHGSFLARPSRKNQGDFSLSVRVGDQVTHIRIQNSGDF  
YDLYGGEKFATLTELVEYYTQQQGV LQDRDGTIIHLKYPL

SH2 2 PTPN6 (SEQ ID NO: 8)

WYHGHMSGGQAETLLQAKGEPWTFVLVRESLSQPGDFVLSVLSDQPKAGPGSPLRVT  
HIKVMCEGGRYTVGGLETFDLSDLVENHFCKKTGIEEASGAFVYLRQPY

Слитый белок может содержать вариант SEQ ID NO: 6, 7 или 8, имеющий по меньшей мере 80, 85, 90, 95, 98 или 99% идентичности последовательности, при условии, что вариант последовательности является последовательностью домена SH2, имеющей необходимые свойства. Другими словами, вариант последовательности должен быть способен связываться с фосфорилированными остатками тирозина в цитоплазматическом хвосте по меньшей мере одного из PD1, PDCD1, BTLA4, LILRB1, LAIR1, CTLA4, KIR2DL1, KIR2DL4, KIR2DL5, KIR3DL1 или KIR3DL3, что делает возможным рекрутирование PTPN6.

В определенных вариантах осуществления слитый белок может содержать домен SH2 PTPN6 и фосфатазный домен PTPN6. Например, слитый белок может содержать последовательность, представленную как SEQ ID NO: 5 или ее вариант, имеющий по меньшей мере 80, 85, 90, 95, 98 или 99% идентичности последовательности.

SHP-2

SHP-2, также известный как PTPN11, PTP-1D и PTP-2C, является членом семейства белковых тирозинфосфатаз (PTP). Подобно PTPN6, SHP-2 имеет доменную структуру, состоящую из двух tandemных доменов SH2 на его N-конце, за которыми следует домен белковой тирозинфосфатазы (PTP). В неактивном состоянии N-концевой домен SH2 связывается с доменом PTP и блокирует доступ потенциального субстрата к активному центру. Таким образом, SHP-2 самоингибируется. После связывания с целевыми фосфотирозильными остатками, N-концевой домен SH2 высвобождается из домена PTP, каталитически активируя фермент, облегчая аутоингибирование.

SHP-2 человека имеет регистрационный номер UniProtKB P35235-1. Эта последовательность составляет 597 аминокислот в длину и представлена как SEQ ID NO: 9.

Аминокислотная последовательность SHP-2 (SEQ ID NO: 9)

MTSRRWFHPNITGVEAENLLLTRGVDGSLARPSKSNPGDFTLSVRRNGAVTHIKIQN  
TGDDYDLYGGGEKFATLAELVQYYMEHHGQLKEKNGDVIELKYPLNCADPTSERWFHG  
HLSGKEAEKLLTEKGKHSFLVRESQSHPGDFVLSVRTGDDKGESNDGKSKVTHVMIR  
CQELKYDVGGGERFDSLTDLVENHYKKNPMVETLGTVLQLKQPLNTRINAAEIESRVRE  
LSKLAETTDKVKQGFWEETFETLQQQECKLLYSRKEGQRQENKKNKNRYKNILPFDHTRV  
VLHDGDPNEPVS DYINANIIMPEFETKCNNSKPKKSYIATQGCLQNTVNDFWRMVVFQEN  
SRVIVMTTKEVERGKSKCVKYWPDEYALKEYGVMRVRNVKESAAHDYTLRELKLSKV  
GQALLQGNTERTVWQYHFRTWPDHGVPSDPGGVLD FLEEVHHKQESIVDAGPVVVHC  
SAGIGRTGTFIVIDILIDIPIREKGVDCDIDVPKTIQMVR SQRS GMVQTEAQYRFIYMAVQH  
YIETLQRRIEEEQKSKRKGHEYTNIKYSLVDQTS GDQSPLPPCTPTPPCAEMREDSARVY  
ENVGLMQQQR SFR

Слитый белок по изобретению может содержать домен SH2 SHP-2. Укороченный белок по изобретению может содержать домен SH2 SHP-2 или состоять из него. В связи с этим, слитый или укороченный белок может содержать первый домен SH2 SHP-2, например, содержащий аминокислоты 6-102 SEQ ID NO: 9, или второй домен SH2 SHP-2, например, содержащий аминокислоты 112-216 SHP-2, или состоять из него. Слитый или укороченный белок может содержать последовательность, представленную как SEQ ID NO: 10, 11 или 12, или состоять из нее.

Первый домен SH2 SHP-2 (SEQ ID NO: 10)

WFHPNITGVEAENLLLTRGVDGSLARPSKSNPGDFTLSVRRNGAVTHIKIQNTGDY

YDLYGGEKFATLAELVQYYMEHHGQLKEKNGDVIELKYPL

Второй домен SH2 SHP-2 (SEQ ID NO: 11)

WFHGHLSGKEAEKLLTEKGKHGSFLVRESQSHPGDFVLSVRTGDDKGESNDGKSKV  
THVMIRCQELKYDVGGERFDSLTDLVEHYKKNPMVETLGTVLQLKQPL

5 Оба домена SH2 SHP-2 (SEQ ID NO: 12)

WFHPNITGVEAENLLTRGVDGSFLARPSKSNPGDFTLSVRRNGAVTHIKIQNTGDY  
YDLYGGEKFATLAELVQYYMEHHGQLKEKNGDVIELKYPLNCADPTSERWFHGHLSG  
KEAEKLLTEKGKHGSFLVRESQSHPGDFVLSVRTGDDKGESNDGKSKVTHVMIRCQEL  
KYDVGGERFDSLTDLVEHYKKNPMVETLGTVLQLKQPL

10 Слитый белок может содержать вариант SEQ ID NO: 10, 11 или 12, имеющий по меньшей мере 80, 85, 90, 95, 98 или 99% идентичности последовательности, при условии, что вариант последовательность является последовательностью домена SH2, способной связываться с ITIM-содержащим доменом. Например, вариант последовательности может быть способен связываться с фосфорилированными остатками тирозина в  
15 цитоплазматическом хвосте PD1, PDCD1, BTLA4, LILRB1, LAIR1, CTLA4, KIR2DL1, KIR2DL4, KIR2DL5, KIR3DL1 или KIR3DL3.

#### ГЕТЕРОЛОГИЧНЫЙ ДОМЕН

В рамках изобретения термин "гетерологичный домен" относится к любому белковому домену, не присутствующему в:

20 i) ZAP70 дикого типа (см. SEQ ID NO: 1) в случае слитых белков, содержащих домен SH2 ZAP70;

ii) PTPN6 дикого типа (см. SEQ ID NO: 5) в случае слитых белков, содержащих домен SH2 PTPN6; или

25 iii) дикого типа SHP-2 (см. SEQ ID NO: 9) в случае слитых белков, содержащих домен SH2SHP-2.

Гетерологичный домен может являться другим белком из ZAP70, SHP-2 или PTPN6 или его можно получать из них (например, он может являться их частью).

Альтернативно, слитый белок может содержать продукт слияния домена SH2 ZAP70 и домена из PTPN6, такого как киназный домен PTPN6. К тому же, слитый белок может  
30 содержать продукт слияния домен SH2 PTPN6 и домена из ZAP70, такого как киназный домен ZAP70.

#### УСИЛЕННЫЙ СИГНАЛ

Настоящее изобретение относится к слитому белку, содержащему: домен SH2 из ITAM-связывающего белка; и ITAM-содержащий домен.

35 Настоящее изобретение также относится к слитому белку, содержащему: домен SH2 из ITIM-связывающего белка; и ITIM-содержащий домен.

Эти "усиленные" сигнальные молекулы будут усиливать возбуждающий или ингибиторный сигнал внутри иммунной клетки, такой как Т-клетка.

40 Как показано на фигуре 4, наличие таких молекул будет приводить к каскаду ITAM или ITIM, что приводит к усиленному активирующему или ингибиторному сигналу, соответственно.

Амплификация активирующего сигнала применима в ситуациях, когда желательно повышать чувствительность иммунной клетки (такой как CAR-T-клетка) к антигену. Это может иметь место, когда, например, антиген-мишень экспрессируется на клетках-мишенях на низких уровнях.  
45

Амплификация ингибиторных систем применима в ситуациях, когда желательно снижать или предотвращать активацию Т-клеток. В WO2015/075469 описывают панель "логических элементов" пар химерных антигенных рецепторов, которые при экспрессии

клеткой, такой как Т-клетка, способны определять конкретный паттерн экспрессии по меньшей мере двух антигенов-мишеней А и В). "Элемент И НЕТ", описываемый в настоящей заявке, содержит пару CAR таким образом, что Т-клетка запускается, только когда антиген А, но не антиген В присутствует на клетке-мишени. В этом элементе "И НЕТ" один CAR (распознающий антиген А) содержит активирующий эндодомен, содержащий ИТАМ, в то время как другой CAR (распознающий антиген В) содержит ингибиторный эндодомен, который может содержать ИТИМ. В присутствии антигена А в отдельности наличия нелигированного ингибиторного CAR недостаточно для предотвращения активации Т-клеток, таким образом, происходит активация. Однако в присутствии обоих антигенов образуются области мембраны с высокими концентрациями активирующих и ингибиторных CAR. Т.к. оба эндодомена сконцентрированы, происходит предотвращение или снижение активации Т-клеток.

Амплификацию ингибиторного сигнала с использованием усиленной сигнальной молекулы по настоящему изобретению можно использовать в элементе "И" для снижения или устранения любой остаточной передачи сигнала, происходящей в присутствии обоих антигенов, т.е. при неполном ингибировании активирующего CAR ингибиторным CAR.

#### ИТАМ-СОДЕРЖАЩИЙ ДОМЕН

В одном из вариантов осуществления слитый белок содержит домен SH2 ZAP70 и домен, содержащий иммунорецепторный тирозиновый активирующий мотив (ИТАМ).

Слияние полноразмерного ZAP70 с ИТАМ-содержащим доменом приводит к получению структуры, усиливающей активирующий иммунный сигнал. В этом случае слитый белок рекрутируется к иммунорецепторному эндодомену фосфо-ИТАМ. ZAP70, как правило, функционирует, распространяя сигнал, но также обеспечивает наличие другого набора ИТАМ, становящихся фосфорилированными и рекрутирующими больше ZAP70. Это может быть применимо для повышения силы сигнала и может повышать чувствительность, например, к антигенам низкой плотности. В некоторых вариантах осуществления продукт слияния может включать только домен SH2 ZAP70 с ИТАМ-содержащим эндодоменом (например, продукт слияния не содержит киназный домен ZAP70). В других вариантах осуществления соотношение каталитических доменов (киназных доменов) ZAP70 и ИТАМ можно варьировать, чтобы повлиять на кинетику активации в ответ на динамику взаимодействий активирующего рецептора с когнатной мишенью.

ИТАМ является консервативной последовательностью из четырех аминокислот, повторяющихся дважды в цитоплазматических хвостах конкретных белков поверхности клеток иммунной системы. Мотив содержит тирозин, отделенный от лейцина или изолейцина любыми двумя другими аминокислотами, образуя сигнатуру YxxL/I. Две из этих сигнатур, как правило, отделены 6-8 аминокислотами в хвосте молекулы (YxxL/Ix(6-8)YxxL/I).

ИТАМ важны для передачи сигнала в иммунных клетках. Таким образом, их обнаруживают в хвостах важных сигнальных молекул клетки, таких как CD3 и ζ-цепи комплекса Т-клеточного рецептора, CD79-альфа- и -бета-цепи комплекса В-клеточного рецептора и конкретные Fc-рецепторы. Остатки тирозина в этих мотивах становятся фосфорилированными после взаимодействия рецепторных молекул с их лигандами и образуют участки докинга для других белков, вовлеченных в клеточные пути передачи сигнала.

Известно, что несколько белков содержат эндодомены с одним или более мотивами ИТАМ. Примеры таких белков включают, среди прочего, эпсилон-цепь CD3, гамма-цепь

CD3 и дельта-цепь CD3. Мотив ITAM легко может распознаваться в качестве тирозина, отделенного от лейцина или изолейцина любыми двумя другими аминокислотами, образуя сигнатуру YxxL/I. Как правило, но не всегда, два из этих мотивов разделены 6-8 аминокислотами в хвосте молекулы (YxxL/Ix(6-8)YxxL/I). Таким образом, специалист в этой области легко может находить существующие белки, содержащие один или более ITAM для передачи активационного сигнала. Кроме того, учитывая, что мотив является простым, и сложная вторичная структура не нужна, специалист в этой области может конструировать полипептиды, содержащие искусственные ITAM для передачи активационного сигнала (см. WO 2000063372, относящийся к синтетическим сигнальным молекулам).

ITAM-содержащий домен может являться эндодоменом CD3 дзета или содержать его. Соответственно, ITAM-содержащий домен может содержать последовательность, представленную как SEQ ID NO: 13 или ее вариант, имеющий по меньшей мере 80, 85, 90, 95, 98 или 99% идентичности последовательности, сохраняющий способность фосфорилироваться и рекрутировать ZAP70.

SEQ ID NO: 13 (эндодомен CD3 дзета)

RVKFSRSADAPAYQQGQNQLYNELNLGRREEYDVLDKRRGRDPEMGGKPRRKNPQ  
EGLYNELQKDKMAEAYSEIGMKGERRRGKGHDGLYQGLSTATKDTYDALHMQALPPR

В качестве примера, слитый белок может являться последовательностью, представленной как SEQ ID NO: 14, содержащей домен SH2ZAP70, слитый с эндодоменом CD3 дзета, или содержать ее.

SEQ ID NO: 14

MRRVKFSRSADAPAYQQGQNQLYNELNLGRREEYDVLDKRRGRDPEMGGKPRRKN  
PQEGLYNELQKDKMAEAYSEIGMKGERRRGKGHDGLYQGLSTATKDTYDALHMQAL  
PPRSGGGGSGGGGSGGGGSGGGGSGMPDPAHLFFYGSISRAEAEHLKLAGMADGLF  
LLRQCLRSLLGGYVLSLVHDFRHHFPIERQLNGTYAIAGGKAHCGPAELCEFYSRDPDG  
LPCNLRKPCNRPSGLEPQPGVFDCLRDAMVRDYVRQTWKLEGEALEQAISQAPQVEK  
LIATTANHERMPWYHSSLTREEAERKLYSGAQTGDKFLLRPRKEQGTYSLSIYGKTVYH  
YLISQDKAGKYCIPEGTKFDTLWQLVEYLKADGLIYCLKEACPNSSASNASGAAAPT  
LPAHPSTLTHPQRRIDTLNSDGYTPEPARITSPDKPRPMPMDTSVYESPYSDPEELKDKK  
LFLKRDNLLIADIELGCGNFGSVRQGVYRMKKQIDVAIKVLKQGTEKADTEEMMREA  
QIMHQLDNPYIVRLIGVCQAEALMLVMEMAGGGPLHKFLVGKREEIPVSNVAELLHQV  
SMGMKYLEEKNFVHRDLAARNVLLVNRHYAKISDFGLSKALGADDSYYTARSAGKWP  
LKWYAPECINFRKFSSRSVDVWSYGVTMWEALSYGQKPYKKMKGPVMAFIEQGKRME  
CPPECPELYALMSDCWIYKWEDRPDLTVEQRMACYYSKASKVEGPPGSTQKAEAA  
CA

Соответственно, слитый белок может содержать последовательность, представленную как SEQ ID NO: 14 или ее вариант, имеющий по меньшей мере 80, 85, 90, 95, 98 или 99% идентичности последовательности.

#### ITIM-СОДЕРЖАЩИЙ ДОМЕН

В одном из вариантов осуществления слитый белок содержит домен SH2 PTPN6 и домен, содержащий иммунорецепторный тирозиновый ингибирующий мотив (ITIM).

Слияние полноразмерного PTPN6 с ITIM-содержащим доменом приводит к образованию структуры, усиливающей ингибиторный иммунный сигнал. В этом случае слитый белок рекрутируется к иммунорецепторному эндодому фосфо-ITIM. PTPN6, как правило, функционирует, распространяя сигнал, но также обеспечивает наличие другого набора ITIM, становящихся фосфорилированными и рекрутирующими больше PTPN6. В некоторых вариантах осуществления продукт слияния может включать только

домен SH2 PTPN6 с ITIM-содержащим эндодоменом (например, продукт слияния не содержит фосфатазный домен PTPN6). В других вариантах осуществления соотношение каталитических доменов (фосфатазных доменов) PTPN6 с ITIM можно варьировать, чтобы влиять на кинетику активации в ответ на динамику ингибиторных рецепторных взаимодействий с когнатной мишенью.

ITIM является консервативной последовательностью аминокислот (S/I/V/LxYxxI/V/L), обнаруживаемой в цитоплазматических хвостах многих ингибиторных рецепторов иммунной системы. После взаимодействия ITIM-содержащих ингибиторных рецепторов с их лигандом их мотив ITIM фосфорилируется ферментами из киназ Src, что позволяет им рекрутировать PTPN6 посредством взаимодействий между доменом SH2 PTPN6 и фосфорилированными доменами ITIM.

ITIM-содержащие эндодомены включают эндодомены, например, из CD22, LAIR-1, семейства рецепторов подавления цитотоксичности (KIR), LILRB1, CTLA4, PD-1, BTLA.

Эндодомены ITIM из PDCD1, BTLA4, LILRB1, LAIR1, CTLA4, KIR2DL1, KIR2DL4,

KIR2DL5, KIR3DL1 и KIR3DL3 представлены как SEQ ID NO: 15-24, соответственно

SEQ ID NO: 15 эндодомен PDCD1

CSRAARGTIGARRTGQPLKEDPSAVPVFSVDYGELDFQWREKTPEPPVPCVPEQTEY  
ATIVFPSGMGTSSPARRGSADGPRSAQPLRPEDGHCSWPL

SEQ ID NO: 16 BTLA4

KLQRRWKRTQSQQGLQENSSGQSFFVRNKKVRRAPLSEGPLSLGCYNPMMEDGISY  
TTLRFPEMNIPRTGDAESSEMQRPPDCDDTVTYSALHKRQVG DYENVIPDFPEDEGIHY  
SELI

QFGVGERPQAQENV DYVILKH

SEQ ID NO: 17 LILRB1

LRHRRQGKHWTSTQRKADFQHPAGAVGPEPTDRGLQWRSSPAADAQEENLYAAVK  
HTQPEDGVEMDTRSPHDEDPQAVTYAEVKHSRPRREMASPPSPLSGEFLDTKDRQAE  
DRQMDTEAAASEAPQDV TYAQLHSLTLRREATEPPPSQEGPSPAVPSIYATLAIH

SEQ ID NO: 18 LAIR1

HRQNQIKQGPPRSKDEEQKPQQRPD LAVDVLERTADKATVNGLP EKDR ETDTSALA  
AGSSQEV TYAQLDHWALTQRTARAVSPQSTKPMASITYAAVARH

SEQ ID NO: 19 CTLA4

FLWLILAAVSSGLFFYSFLLTAVSLSKMLKKRSPLTTGVYVKMPPTPECEKQFQPYF  
IPIN

SEQ ID NO: 20 KIR2DL1

GNSRHLHVLIGTSVVIIPFAILLFLLHRWCANKKNAV VMDQEPAGNRTVNREDSDE  
QDPQEV TYTQLNHCVFTQRKITRPSQRPKTPPTDIIVYTELPNAESRSKV VSCP

SEQ ID NO: 21 KIR2DL4

GIARHLHAVIRYSVAIILFTILPFLLHRWCSSKKKENAAVMNQEPAGHRTVNREDSDE  
QDPQEV TYAQLDHCIFTQRKITGPSQRSKRPSDTSVCIELPNAEPRALSPAHEHHSQAL

MGSSRETTALSQTQLASSNVPAAGI

SEQ ID NO: 22 KIR2DL5

TGIRRLHLILIGTSVAIILFIILFFLLHCCCSNKKNAAVMDQEPAGDRTVNREDSDDQ  
DPQEV TYAQLDHCVFTQTKITSPSRPKTPPTDTTMYMELPNAKPRSLSPAHHHSQAL  
RGSSRETTALSQNRVASSHVPAAGI

SEQ ID NO: 23 KIR3DL1

KDPRHLHLIGTSVVIILFILLFLLHLWCSSNKKNAAVMDQEPAGNRTANSEDSDEQ  
DPEEV TYAQLDHCVFTQRKITRPSQRPKTPPTDTILYTELPNAKPRSKV VSCP

SEQ ID NO: 24 KIR3DL3

KDPGNSRHLHVLIGTSVVIIPFAILLFLLHRWCANKKNAVVMQEPAGNRTVNRED  
SDEQDPQEVTYAQLNHCVFTRKQITRPSQRPKTPPTDTSV

ITIM-содержащий домен может являться эндодоменом PDCD1, BTLA4, LILRB1, LAIR1, CTLA4, KIR2DL1, KIR2DL4, KIR2DL5, KIR3DL1 или KIR3DL3 или содержать его. Соответственно, ITIM-содержащий домен может содержать последовательность, представленную как любая из SEQ ID NO: 15-24 или их вариант, имеющий по меньшей мере 80, 85, 90, 95, 98 или 99% идентичности последовательности, сохраняющий способность быть фосфорилированной киназами Src и усиливать ингибиторный иммунный сигнал.

В качестве примера, слитый белок может являться последовательностью, представленной как SEQ ID NO: 25, содержащей домен SH2 PTPN6, слитый с эндодоменом PD1, или содержать ее.

#### SEQ ID NO: 25

MTGQPLKEDPSAVPVFSVDYGELDFQWREKTPEPPVPCVPEQTEYATIVFPSGMGTS  
SPARRGSADGPRSAQPLRPEDGHCSWPLSGGGGSGGGGSGGGGSGGGGSMVRWFHRD  
LSGLDAETLLKGRGVHGSFLARPSRKNQGDLSVVRVGDQVTHIRIQNSGDFYDLYGGE  
KFATLTELVEYYTQQQGVLDQDRDGTIIHLKYPLNCSPTSERWYHGHMSGGQAETLLQ  
AKGEPWTFVLVRESLSQPGDFVLSVLSQPKAGPGSPLRVTHIKVMCEGGRYTVGGLET  
DSLTDLVEHFKKTGIEEASGAFVYLRQPYATRVNAADIENRVLELNKKQESEDATA  
GFWEEFESLQKQEVKNLHQRLEGQRPENKGNRYKNILPFDHSRVILQGRDSNIPGSDY  
INANYIKNQLLGPDENAKTYIASQGCLEATVNDFWQMAWQENSRVIVMTTREVVEKGR  
NKCVPYWPEVGMQRAYGPYSVTNCGEHDTEYKLRTLQVSPLDNGDLIREIWHYQYL  
SWPDHGVPEPGGVLSFLDQINQRQESLPHAGPIIVHCSAGIGRTGTIIVIDMLMENISTK  
GLDCDIDIQKTIQMVRAQRSGMVQTEAQYKFIYVAIAQFIETTKKKLEVLQSQKGQESE  
YGNITYPPAMKNAHAKASRTSSKHKEDVYENLHTKNKREEKVKKQRSADKEKSKGSL  
KRK

Соответственно, слитый белок может содержать последовательность, представленную как SEQ ID NO: 25 или ее вариант, имеющий по меньшей мере 80, 85, 90, 95, 98 или 99% идентичности последовательности.

#### ПЕРЕКРЕСТНЫЙ СИГНАЛ

Настоящее изобретение относится к слитому белку, содержащему: домен SH2 из ITAM-связывающего белка и фосфатазный домен.

Настоящее изобретение также относится к слитому белку, содержащему домен SH2 из ITIM-связывающего белка и киназный домен.

Эти "перекрестные" сигнальные молекулы будут реверсировать возбуждающий или ингибиторный сигнал внутри иммунной клетки, такой как Т-клетка. Если Т-клетка получает возбуждающий сигнал, например, после распознавания антигена-мишени посредством CAR, или МНС:пептид посредством TCR, наличие первого типа перекрестной молекулы будет приводить к тому, что клетка будет интерпретировать возбуждающий сигнал как ингибиторный сигнал.

Снижение или изменение активации Т-клеток может быть применимо во множестве ситуаций, например, его можно использовать для CAR-экспрессирующих Т-клеток, в которых есть высокий уровень экспрессии антигена-мишени на клетке-мишени. Его можно использовать для предотвращения гиперактивации Т-клеток, что может приводить к истощению Т-клеток и/или гибели клеток, индуцируемой активацией. Предотвращая то, чтобы Т-клетка становилась активированной слишком сильно или слишком быстро, также можно предотвращать или снижать патологические побочные эффекты лечения CAR-Т-клетками, такими как синдром высвобождения цитокинов



(CRS).

Обратная ситуация происходит тогда, когда Т-клетка получает ингибиторный сигнал, например, после лигирования PD1, и наличие второго типа перекрестной молекулы приводит к тому, что клетка интерпретирует ингибиторный сигнал как возбуждающий сигнал.

Снижение или реверсирование ингибирования Т-клеток будет помогать клетке преодолевать ингибиторные стимулы в неблагоприятном опухолевом микроокружении и должно, таким образом, повышать персистирование и экспансию Т-клеток *in vivo*.

В одном из вариантов осуществления слитый белок содержит домен SH2 PTPN6 и киназный домен ZAP70. В другом варианте осуществления слитый белок по настоящему изобретению содержит домен SH2 ZAP70, слитый с киназным доменом PTPN6.

В вариантах осуществления, относящихся к домену SH2 ZAP70, слитому с фосфатазным доменом из PTPN6, когда Т-клетка получает возбуждающий сигнал, она интерпретирует его как ингибиторный сигнал, т.к. фосфатазный домен PTPN6 рекрутируется к активированному ITAM посредством домена SH2 ZAP70.

В вариантах осуществления, относящихся к домену SH2 PTPN6, слитому с киназным доменом из ZAP70, когда Т-клетка получает ингибиторный сигнал, она интерпретирует его как возбуждающий сигнал, т.к. киназный домен ZAP70 рекрутируется к активированному ITIM посредством домена PTPN6. Слияние между доменом SH2 PTPN6 и киназным доменом ZAP70 будет приводить к конкуренции за фосфорилированные ITIM посредством блокирования ингибиторных сигналов PTPN6 дикого типа, но, кроме того, будет передавать парадоксальный активационный сигнал. Это может быть применимо в преодолении сигналов блокады контрольных точек в опухолевом микроокружении.

Последовательность киназного домена ZAP70 человека, фосфатазного домена PTPN6 и фосфатазного домена SHP-2 представлены как SEQ ID NO: 26, 27 и 28, соответственно.

SEQ ID NO: 26 - киназный домен ZAP70

DPEELKDKKLFLKRDNLLIADIELGCGNFGSVRQGVYRMKKQIDVAIKVLKQGTEK  
ADTEEMMREAQIMHQLDNPYIVRLIGVCQAEALMLVMEMAGGGPLHKFLVGKREEIP  
VSNVAELLHQVSMGMKYLEEKNFVHRDLAARNVLLVNRHYAKISDFGLSKALGADDS  
YYTARSAGKWPLKWYAPECINFRKFSSRSVDWSYGVMTWEALSYGQKPKYKMKGP  
VMAFIEQGKRMECPPECPPELYALMSDCWIYKWEDRPDLTVEQRMACYYSKASKVE  
GPPGSTQKAEACA

SEQ ID NO: 27 - фосфатазный домен PTPN6

FWEEFESLQKQEVKNLHQRLEGQRPENKGNRYKNILPFDHSRVILQGRDSNIPGSD  
YINANYIKNQLLGPDENAKTYIASQGCLEATVNDFWQMAWQENSRVIVMTTREV  
RNCVVPYWPVEVGMQRAYGPYSVTNCGEHDTEYKLRTLQVSPLDNGDLIREIWHYQY  
LSWPDHGVPSPPGGVLSFLDQINQRQESLPHAGPIIVHCSAGIGRTGTIIVIDMLMENISTK  
GLDCDIDIQKTIQMVRAQRSGMVQTEAQYKFIYVAIAQFIETTKKKL

SEQ ID NO: 28 - фосфатазный домен SHP-2

WEEFETLQQECKLLYSRKEGQRQENKNKNRYKNILPFDHTRVVLHDGDPNEPVSD  
YINANIIMPEFETKCNNSKPKKSYIATQGCLQNTVNDFWRMVVFQENSRVIVMTTKEVER  
GKSKCVKYWPDEYALKEYGVMVRNVKESAAHDYTLRELKLSKVGQALLQGNTERT  
VWQYHFRTWPDHGVPSDPGGVLDLFLEEVHHKQESIMDAGPVVHCSAGIGRTGTIIVI  
DILIDIIREKGVDCDIDVPKTIQMVRSQRSGMVQTEAQYRFIYMA

Киназный домен ZAP70, фосфатазный домен PTPN6 или фосфатазный домен SHP-2 может являться последовательностью, представленной как SEQ ID NO: 26, SEQ ID NO: 27 или SEQ ID NO: 28, соответственно, или ее вариантом, имеющим по меньшей мере

80, 85, 90, 95, 98 или 99% идентичности последовательности, сохраняющим способность фосфорилировать или дефосфорилировать нижележащие белки тем же образом, что и киназный/фосфатазный домены дикого типа, или содержать их.

Примеры слитого белка, содержащего домен SH2 PTPN6, слитый с киназным доменом ZAP70; домен SH2 ZAP70, слитый с киназным доменом PTPN6; и домен SH2 SHP-2, слитый с киназным доменом ZAP70, представлены как SEQ ID NO: 29, SEQ ID NO: 30 и SEQ ID NO: 61, соответственно.

SEQ ID NO: 29 - Продукт слияния домена SH2 PTPN6:киназного домена ZAP70

MVRWFHRDLSGLDAETLLKGRGVHGSFLARPSRKNQGDFFSLSVRVGDQVTHIRIQN  
SGDFYDLYGGEKFATLTELVEYYTQQQGVQLQDRDGTIIHLKYPLNCSDPTSERWYHGH  
MSGGQAETLLQAKGEPWTFVLVRESLSQPGDFVLSVLSQDPKAGPGSPLRVTHIKVMCE  
GGRYTVGGLETDFSLTDLVEHFKKTGIEEASGAFFVYLRQPYYSGGGGSDPEELKDKKLF  
LKRDNLLIADIELGCGNFGSVRQGVYRMRKKQIDVAIKVLKQGTEKADTEEMMREAQI  
MHQLDNPYIVRLIGVCQAEALMLVMEMAGGGPLHKFLVGKREEIPVSNVAELLHQVSM  
GMKYLEEKNFVHRDLAARNVLLVNRHYAKISDFGLSKALGADDSYYTARSAGKWPLK  
WYAPECINFRKFSSRSDVWSYGVMTWEALSYGQKPYKKMKGPVMAFIEQGKRMCEP  
PECPPELYALMSDCWIYKWEDRPDFTLVEQRMRA CYYSLASKVEGPPGSTQKAEACA

SEQ ID NO: 30 - Продукт слияния домена SH2 ZAP70:фосфатазного домена PTPN6

MPDPAHLPPFFYGSISRAEAEHLKLAGMADGLFLLRQCLRSLGGYVLSLVHDVRFH  
HFPIERQLNGTYAIAGGKAHCGPAELCEFYSRDPDGLPCNLKPCNRPSPGLEPQPGVFDCL  
LRDAMVRDYYRQVWKLEGEALEQAIISQAPQVEKLIATTAHERMPWYHSSLTREEAER  
KLYSGAQTGDKFLLRPRKEQGTYALSLIYGKTVYHYLISQDKAGKYCIPEGTKFDTLWQ  
LVEYLLKADGLIYCLKEACPNSSASNASGAAAPTLPAHPSTLTHPSGGGGSGGGSGG  
GGSGGGGSFWEEFESLQKQEVKNLHQRLEGQRPENKGNRYKNILPFDHSRVILQGRD  
SNIPGSDYINANYIKNQLLGPDENAKTYIASQGCLEATVNDFWQMAWQENSRVIVMTT  
REVEKGRNKCVPYWPVGMQRAYGPYSVTNCGEHDTEYKLRTLQVSPLDNGDLIREI  
WHYQYLSWPDHGVPSPEPGGVLSFLDQINQRQESLPHAGPIIVHCSAGIGRTGTIIVIDML  
MENISTKGLDCDIDIQKTIQMVRAQRSGMVQTEAQYKFIYVAIAQFIETTKKKL

SEQ ID NO: 61 - двойные домены SH2 из SHP-2, слитые с киназным доменом ZAP70

WFHPNITGVEAENLLTRGVDGSFLARPSKSNPGDFTLSVRRNGAVTHIKIQNTGDY  
YDLYGGEKFATLAELVQYYMEHNGQLKEKNGDVIELKYPLNCADPTSERWFHGHLSG  
KEAEKLLTEKGKHGSFLVRESQSHPGDFVLSVRTGDDKGESNDGKSKVTHVMIRCQEL  
KYDVGGGERFDSLTDLVEHYKKNPMVETLGTVLQLKQPLNTTRINPNSSASNASGAAA  
PTLPAHPSTLTHPQRRIDTLNSDGYTPEPARITSPDKPRPMPMDTSVYESPYSDPEELKDK  
KLFLKRDNLLIADIELGCGNFGSVRQGVYRMRKKQIDVAIKVLKQGTEKADTEEMMRE  
AQIMHQLDNPYIVRLIGVCQAEALMLVMEMAGGGPLHKFLVGKREEIPVSNVAELLHQ  
VSMGMKYLEEKNFVHRDLAARNVLLVNRHYAKISDFGLSKALGADDSYYTARSAGKW  
PLKWYAPECINFRKFSSRSDVWSYGVMTWEALSYGQKPYKKMKGPVMAFIEQGKRM  
ECPPECPPELYALMSDCWIYKWEDRPDFTLVEQRMRA CYYSL

Слитый белок может являться последовательностью, представленной как SEQ ID NO: 29, SEQ ID NO: 30 или SEQ ID NO: 61 или ее вариантом, имеющим по меньшей мере 80, 85, 90, 95, 98 или 99% идентичности последовательности, или содержать их.

#### ГЕТЕРОЛОГИЧНЫЙ СИГНАЛЬНЫЙ ДОМЕН

Слитый белок по настоящему изобретению может содержать (i) домен SH2 ZAP70, PTPN6 или SHP-2; и (ii) гетерологичный сигнальный домен.

В рамках изобретения термин "гетерологичный сигнальный домен" относится к сигнальному домену, не присутствующем в белке ZAP70, PTPN6 или SHP-2 дикого типа. В связи с этим, если слитый белок содержит домен SH2 ZAP70, он содержит сигнальный

домен, не являющийся киназным доменом ZAP70. Альтернативно, если слитый белок содержит домен SH2 RPTN6, он содержит сигнальный домен, не являющийся фосфатазным доменом RPTN6.

### ОБХОДНОЙ СИГНАЛ

5 Гетерологичный сигнальный домен можно получать из сигнальной молекулы, как правило, не активированной ITAM-содержащим рецептором. Другими словами, гетерологичный сигнальный домен можно получать из сигнальной молекулы, не участвующей в распространении иммунологического сигнала 1 после связывания антигена с TCR. Иммунологического сигнала 1 достаточно для запуска уничтожения  
10 Т-клетками когнатных клеток-мишеней, но он не активирует Т-клетку полностью для пролиферации и выживания.

В одном из вариантов осуществления этого аспекта изобретения настоящее изобретение относится к слитому белку, содержащему (i) домен SH2 из белка, связывающегося с ITAM, и (ii) гетерологичный сигнальный домен.

15 Продукт слияния между, например, ZAP70 и другой сигнальной молекулой, как правило, не активированной ITAM-содержащим рецептором, может действовать, приводя к переходу сигнала с одного пути на другой. Одним из примеров является костимуляция. Продукт слияния между ZAP70 и эндодоменом CD28 может передавать костимуляторный сигнал CD28, а также ITAM-активирующий сигнал. Аналогично,  
20 продукт слияния между ZAP70 и эндодоменом 41BB или OX40 может передавать костимуляторный сигнал 41BB или OX40. Также могут рекрутироваться другие пути, например, продукт слияния между ZAP70 и киназным доменом АКТ может приводить к передаче сигнала АКТ после фосфорилирования ITAM. Другие примеры могут включать киназный домен из JAK. Таким образом, Т-клетка может интерпретировать  
25 простой сигнал распознавания антигена как передачу костимуляторного сигнала или даже сигнала цитокинового типа.

Такие слитые белки могут быть применимы, например, в подходах, когда повторные стимуляции Т-клеток *ex vivo* могут приводить к образованию популяций, в которых отсутствуют костимуляторные поверхностные антигены, и имеющих ограниченную  
30 пролиферативную способность *in vivo*, приводящую к ограниченному персистированию и эффективности. Утрата костимуляторных поверхностных антигенов, приводящая к активации Т-клеток исключительно через TCR, связана с более высокой степенью индуцируемой активацией гибели клеток, которая будет отрицательно влиять на эффективность и персистирование *in vivo*. Эффект можно реверсировать посредством  
35 активации экспрессируемых на поверхности 4-1BB и OX40, что свидетельствует о том, что костимуляция может предотвращать индуцируемую активацией гибель клеток и может поддерживать более сильную экспансию опухолеспецифических Т-клеток.

В другом варианте осуществления этого аспекта изобретения настоящее изобретение относится к слитому белку, содержащему (i) домен SH2 из белка, связывающегося с  
40 ITIM; и (ii) гетерологичный сигнальный домен.

Например, домен SH2 RPTN6 или домен SH2 SHP-2 можно подвергать слиянию с костимуляторным эндодоменом таким образом, что Т-клетка интерпретирует ингибиторный сигнал как костимуляторный сигнал.

Гетерологичный сигнальный домен можно получать, например, из CD28, 41BB или  
45 OX40.

CD28 обеспечивает мощный костимуляторный сигнал, а именно иммунологический сигнал 2, запускающий пролиферацию Т-клеток. CD28 является рецептором для белков CD80 (B7.1) и CD86 (B7.2).

41BB (CD137) является трансмембранным гликопротеином типа 2, принадлежащим к суперсемейству ФНО, экспрессируемым на активированных Т-клетках. Перекрестная сшивака 41BB повышает пролиферацию Т-клеток, секрецию ИЛ-2, выживание и цитолитическую активность.

- 5 ОХ40 (CD134) является вторичной костимуляторной молекулой, экспрессируемой через 24-72 часа после активации; его лиганд ОХ40L также не экспрессируется на поющих антигенпрезентирующих клетках, но экспрессируется после их активации. Экспрессия ОХ40 зависит от полной активации Т-клетки; без CD28 экспрессия ОХ40 замедляется и находится на уровне в четыре раза ниже. Передача сигнала через ОХ40  
10 необходима для пролонгированного выживания Т-клеток после исходной активации и пролиферации.

Сигнальные домены (эндодомены) CD28, 41BB и ОХ40 представлены как SEQ ID NO: 31, 32 и 33, соответственно.

SEQ ID NO: 31 - эндодомен CD28

- 15 MRSKRSRLHSDYMNMTPRRPGPTRKHYQPYAPPRDFAAYRS

SEQ ID NO: 32 - эндодомен 41BB

MKRGRKKLLYIFKQPFMRPVQTTQEEDGCSCRFPEEEEEGGCEL

SEQ ID NO: 33 - эндодомен ОХ40

MRDQRLPPDANKPPGGGSFRTPIQEEQADANSTLAKI

- 20 Гетерологичный сигнальный домен может являться последовательностью, представленной как SEQ ID NO: 31; SEQ ID NO: 32 или SEQ ID NO: 33, соответственно, или ее вариантом, имеющим по меньшей мере 80, 85, 90, 95, 98 или 99% идентичности последовательности, или содержать их.

- Гетерологичный сигнальный домен может являться ингибиторным сигнальным  
25 доменом или содержать его.

Например, ингибиторный сигнальный домен может содержать эндодомен CD148 или CD45. Показано, что CD148 и CD45, как правило, действуют на фосфорилированные тирозины выше в каскаде передачи сигнала TCR.

- CD148 является рецептор-подобной белковой тирозинфосфатазой, отрицательно  
30 регулирующей передачу сигнала TCR, противодействуя фосфорилированию и функционированию PLC $\gamma$ 1 и LAT.

CD45 присутствует на всех гемопоэтических клетках, является белковой тирозинфосфатазой, способной регулировать передачу сигнала и функциональные ответы, снова, посредством фосфорилирования PLC  $\gamma$ 1.

- 35 Ингибиторный сигнальный домен может содержать всю рецептор-подобную тирозинфосфатазу или ее часть. Фосфатаза может противодействовать фосфорилированию и/или функционированию элементов, участвующих в передаче Т-клеточного сигнала, таких как PLC $\gamma$ 1 и/или LAT.

- Ингибиторный сигнальный домен может являться эндодоменом ICOS, CD27, BTLA,  
40 CD30, GITR или HVEM или содержать его.

Ингибиторный сигнальный домен может содержать последовательность, представленную как SEQ ID NO: 34-39 или их вариант, имеющий по меньшей мере 80% идентичности последовательности.

SEQ ID NO: 34 - эндодомен ICOS

- 45 CWLTKKKYSSSVHDPNGEYMFMRVNTAKKSRLTDVTL

SEQ ID NO: 35 - эндодомен CD27

QRRKYRSNKGESPVEPAEPCHYSCPREEEGSTIPIQEDYRKPEPACSP

SEQ ID NO: 36 - эндодомен BTLA

RRHQGKQNELSDTAGREINLVDAHLKSEQTEASTRQNSQVLLSETGIYDNDPDLCFR  
MQEGSEVYSNPCLEENKPGIVYASLNHSVIGPNSRLARNVKEAPTEYASICVRS

SEQ ID NO: 37 - эндодомен CD30

HRRACRKIRQKLHLCYPVQTSQPKLELVDSRPRRSSTQLRSGASVTEPVAEERGLM  
5 SQPLMETCHSVGAAYLESPLQDASPAGGPSSPRDLPEPRVSTEHTNNKIEKIYIMKADT  
VIVGTVKAELPEGRGLAGPAEPELEEELEADHTPHYEQETEPPLGSCSDVMLSVVEEGK  
EDPLPTAASGK

SEQ ID NO: 38 - эндодомен GITR

QLGLHIWQLRSQCMWPRETQLLLEVPPSTEDARSCQFPPEERGERSAEEKGRLGDL

10 WV

SEQ ID NO: 39 - эндодомен HVEM

CVKRRKPRGDVVKVIVSVQRKRQEAEGEATVIEALQAPPDVTTVAVEETIPSFTGRSP  
NH

15 Вариант последовательности может иметь по меньшей мере 80%, 85%, 90%, 95%,  
98% или 99% идентичности последовательности по отношению к SEQ ID NO: 34-39, при  
условии, что последовательность обеспечивает эффективный внутриклеточный  
сигнальный домен.

Соответственно, слитый белок может являться или содержать любую из  
последовательностей, представленных как SEQ ID NO: 40-45.

20 (SEQ ID NO: 40) - эндодомен CD28, слитый с аминоконцом полноразмерного ZAP  
MRSKRSRLHSDYMNMTPRRPGPTRKHYPYAPPRDFAAYRSSGGGGSGGGSGG  
GGSGGGGSMPPDPAHLPPFFYGSISRAEAEHLKLAGMADGLFLLRQCLRSLGGYVLSL  
VHDVRFHHFPIERQLNGTYAIAGGKAHCGPAELCEFYSRDPDGLPCNLKPCNRPSGLE  
PQPGVFDCLRDAMVRDYVRQTWKLEGEALEQAIISQAPQVEKLIATTAHERMPWYHSS  
25 LTREEAERKLYSGAQTGKFLLRPRKEQGTYALSLIYGKTVYHYLISQDKAGKYCIPEG  
TKFDTLWQLVEYLKADGLIYCLKEACPNSSASNASGAAAPTLPAPSTLTHPQRRID  
TLNSDGYTPEPARITSPDKPRPMPMDTSVYESPYSDPEELKDKKLFLKRDNLLIADIELG  
CGNFGSVRQGVYRMRKKQIDVAIKVLKQGTEKADTEEMMREAQIMHQLDNPIYIVRLIG  
VCQAEALMLV MEMAGGGPLHKFLVGKREEIPVSNVAELLHQVSMGMKYLEEKNFVH  
30 RDLAARNVLLVNRHYAKISDFGLSKALGADDSYYTARSAGKWPLKWYAPECINFRKFS  
SRSDVWSYGVTMWEALSYGQKPYKKMKGPEVMAFIEQGKRMECPPECPELYALMSD  
CWIYKWEDRPDFTVEQRM RACYYS LASKVEGPPGSTQKAEACA

(SEQ ID NO: 41) - эндодомен 41BB, слитый с аминоконцом полноразмерного ZAP

35 MKRGRKLLYIFKQPFMRPVQTTQEEDGCSCRFPEEEEGGCELSGGGGSGGGSGG  
GGSGGGGSMPPDPAHLPPFFYGSISRAEAEHLKLAGMADGLFLLRQCLRSLGGYVLSL  
VHDVRFHHFPIERQLNGTYAIAGGKAHCGPAELCEFYSRDPDGLPCNLKPCNRPSGLE  
PQPGVFDCLRDAMVRDYVRQTWKLEGEALEQAIISQAPQVEKLIATTAHERMPWYHSS  
LTREEAERKLYSGAQTGKFLLRPRKEQGTYALSLIYGKTVYHYLISQDKAGKYCIPEG  
TKFDTLWQLVEYLKADGLIYCLKEACPNSSASNASGAAAPTLPAPSTLTHPQRRID  
40 TLNSDGYTPEPARITSPDKPRPMPMDTSVYESPYSDPEELKDKKLFLKRDNLLIADIELG  
CGNFGSVRQGVYRMRKKQIDVAIKVLKQGTEKADTEEMMREAQIMHQLDNPIYIVRLIG  
VCQAEALMLV MEMAGGGPLHKFLVGKREEIPVSNVAELLHQVSMGMKYLEEKNFVH  
RDLAARNVLLVNRHYAKISDFGLSKALGADDSYYTARSAGKWPLKWYAPECINFRKFS  
SRSDVWSYGVTMWEALSYGQKPYKKMKGPEVMAFIEQGKRMECPPECPELYALMSD  
45 CWIYKWEDRPDFTVEQRM RACYYS LASKVEGPPGSTQKAEACA

(SEQ ID NO: 42) - эндодомен OX40, слитый с аминоконцом полноразмерного ZAP

MRDQRLPPDAHKKPPGGGSFRTPIQEEQADAHSTLAKISGGGGSGGGSGGGSGGG  
GSMPPDPAHLPPFFYGSISRAEAEHLKLAGMADGLFLLRQCLRSLGGYVLSLVHDVRFH

HFPIERQLNGTYAIAGGKAHCGPAELCEFYSRDPDGLPCNLRKPCNRPSGLEPQPGVFDCLRDAMVRDYVRQTWKLEGEALEQAIISQAPQVEKLIATTAHERMPWYHSSLTREEAERKLYSGAQTGKFLLRPRKEQGTYSLSLIYGKTVYHYLISQDKAGKYCIPEGTKFDTLWQ  
 5 LVEYLKCLKADGLIYCLKEACPNSSASNASGAAAPTLPAHPSTLTHPQRRIDTLNSDGYTPEPARITSPDKPRPMPMDTSVYESPYSDPEELKDKKLFLKRDNLLIADIELGCGNFGSVRQGVYRMRKKQIDVAIKVLKQGTEKADTEEMMREAQIMHQLDNPYIVRLIGVCQAEALMLVMEMAGGGPLHKFLVKGREEIPVSNVAELLHQVSMGMKYLEEKNFVHRDLAARNVLVNRHYAKISDFGLSKALGADDSYYTARSAGKWPLKWYAPECINFRKFSSRSDVWSYGV  
 10 VTMWEALSYGQKPYKKMKGPVMAFIEQGKRMECPPECPPELYALMSDCWIYKWEDRPDFLTVEQRMRACTYYSASKVEGPPGSTQKAEAAACA

(SEQ ID NO: 43) - эндодомен CD28, слитый с аминоконцом домена SH2 PTPN6.

MRSKRSRLHSDYMNMTTPRRPGPTRKHYPYAPPRDFAAYRSSGGGGSGGGGSGGGGGSGGSMVRWFHRDLSGLDAETLLKGRGVHGSFLARPSRKNQGDFSLSVRVGDQV  
 THIRIQNSGDFYDLYGGEKFATLTELVEYYTQQQGVQLQDRDGTIIHLKYPLNCSDPTSER  
 15 WYHGHMSGGQAETLLQAKGEPWTFVLRESLSQPGDFVLSVLSQPKAGPGSPLRVTHIKVMCEGGRYTVGGLETDFDSLTDLVEHFKKTGIEEASGAFVYLRQPY

(SEQ ID NO: 44) - эндодомен 41BB, слитый с аминоконцом домена SH2 PTPN6

MKRGRKKLLYIFKQPFMRPVQTTQEEDGCSCRFPEEEEGGCELSSGGGGSGGGGSGGGGGSGGSMVRWFHRDLSGLDAETLLKGRGVHGSFLARPSRKNQGDFSLSVRVGDQV  
 20 THIRIQNSGDFYDLYGGEKFATLTELVEYYTQQQGVQLQDRDGTIIHLKYPLNCSDPTSERWYHGHMSGGQAETLLQAKGEPWTFVLRESLSQPGDFVLSVLSQPKAGPGSPLRVTHIKVMCEGGRYTVGGLETDFDSLTDLVEHFKKTGIEEASGAFVYLRQPY

(SEQ ID NO: 45) - эндодомен OX40, слитый с аминоконцом домена SH2 PTPN6

MRDQRLPPDANKPPGGGSFRTPIQEEQADAHSTLAKISGGGGSGGGGSGGGGSGGGGSGGSMVRWFHRDLSGLDAETLLKGRGVHGSFLARPSRKNQGDFSLSVRVGDQVTHIRIQNSGDFYDLYGGEKFATLTELVEYYTQQQGVQLQDRDGTIIHLKYPLNCSDPTSERWYHGH  
 25 MSGGQAETLLQAKGEPWTFVLRESLSQPGDFVLSVLSQPKAGPGSPLRVTHIKVMCEGGRYTVGGLETDFDSLTDLVEHFKKTGIEEASGAFVYLRQPY

Соответственно, слитый белок может содержать последовательность, представленную  
 30 как любая из SEQ ID NO: 40-45 или их вариант, имеющий по меньшей мере 80, 85, 90, 95, 98 или 99% идентичности последовательности.

### КИНАЗНЫЙ ДОМЕН

Гетерологичный сигнальный домен может являться киназным доменом. Например, гетерологичный сигнальный домен может содержать киназный домен АКТ или киназный  
 35 домен JAK.

Акт, также известный как протеинкиназа В (РКВ), является серин/треонин-специфической протеинкиназой, играющей ключевую роль во множестве клеточных процессов, таких как метаболизм глюкозы, апоптоз, пролиферация клеток, транскрипция и миграция клеток.

40 После активации TCR Т-клетки секретируют ИЛ-2, поддерживающий выживание и пролиферацию. Однако эта секреция является транзиторной, и Т-клетки, активированные и подвергнутые экспансии *in vitro*, начинают зависеть от экзогенного ИЛ-2 для выживания. Повышая фосфорилирование АКТ после фосфорилирования ITAM, ассоциированного с активацией TCR или CAR, можно снижать или устранять зависимость  
 45 активированных Т-клеток от экзогенного ИЛ-2 и повышать их пролиферацию и выживание.

Киназный домен Akt представлен как SEQ ID NO: 46.

SEQ ID NO: 46 - киназный домен Akt

AEEMEVS LAKPKHRVTMNEFEYLKLLGKGTFGKVILVKEKATGRYYAMKILKKEVI  
 VAKDEVAHTLTENRVLQNSRHPFLTALKYSFQTHDRLCFVMEYANGGELFFHLSRERV  
 FSEDRARFYGAEIVSALDYHSEKNVVYRDLKLENLMLDKDGHKITDFGLCKEGIKDG  
 ATKMTFCGTPEYLAPEVLEDNDYGRAVDWWGLGVVMYEMMCGRLPFYNQDHEKLFE  
 5 LILMEEIRFPRTLGP EAKSLLSGLLKKDPKQRLGGGSEDAKEIMQHRFFAGIVWQH VYE  
 KKLSPPFKPQVTSETDTRYFDEEFTAQMITITPPDQDDSMECVDSERRPHFPQFSYASG  
 TA

Гетерологичный сигнальный домен может являться последовательностью,  
 представленной как SEQ ID NO: 46 или ее вариант, имеющий по меньшей мере, 80, 85,  
 10 90, 95, 98 или 99% идентичности последовательности, или содержать ее, при условии,  
 что последовательность обеспечивает эффективный киназный домен.

В качестве примера, слитый белок может являться любой из последовательностей,  
 представленных как SEQ ID NO: 47-49 и 62, содержащую домен SH2 ZAP70, слитый  
 непосредственно с киназным доменом Akt, домен SH2 ZAP70, слитый с киназным  
 15 доменом Akt через линкер, ZAP70, подвергнутый мутагенезу для придания  
 нефункциональности и слитый с киназным доменом Akt; и двойной домен SH2 SHP-2,  
 слитый с киназным доменом Akt, соответственно, или содержать их.

SEQ ID NO: 47 - домен SH2 ZAP70, слитый напрямую с киназным доменом Akt

MPDPA AHL PFFYGSISR AEAEHLKLAGMADGLFLLRQCLRSLGGYVLSLVHDVRFH  
 20 HFPIERQLNGTYAIAGGKAHCGPAELCEFYSRDPDGLPCNLRKPCNRPSGLEPQPGVFDC  
 LRDAMVRD YVRQ TWKLEGEALEQAIISQAPQVEKLIATTAHERMPWYHSSLTREEAER  
 KLYSGAQT DKGKFLLRPRKEQGTYALSLIYGKTVYHYLISQDKAGKYCIPEGTKFDTLWQ  
 IVEYLK LKADGLIYCLKEACPNSSASNASGAAAPTLP AHPSTLTHPAEEMEVS LAKPKH  
 RVTMNEFEYLKLLGKGTFGKVILVKEKATGRYYAMKILKKEVIVAKDEVAHTLTENRV  
 25 LQNSRHPFLTALKYSFQTHDRLCFVMEYANGGELFFHLSRERV FSEDRARFYGAEIVSA  
 LDYLHSEKNVVYRDLKLENLMLDKDGHKITDFGLCKEGIKDGATMKTFCGTPEYLAP  
 EVLEDNDYGRAVDWWGLGVVMYEMMCGRLPFYNQDHEKLFELILMEEIRFPRTLGP E  
 AKSLLSGLLKKDPKQRLGGGSEDAKEIMQHRFFAGIVWQH VYEKKLSPPFKPQVTSETD  
 TRYFDEEFTAQMITITPPDQDDSMECVDSERRPHFPQFSYASGTA

SEQ ID NO: 48 - домен SH2 ZAP70, слитый с киназным доменом Akt через линкер

MPDPA AHL PFFYGSISR AEAEHLKLAGMADGLFLLRQCLRSLGGYVLSLVHDVRFH  
 HFPIERQLNGTYAIAGGKAHCGPAELCEFYSRDPDGLPCNLRKPCNRPSGLEPQPGVFDC  
 LRDAMVRD YVRQ TWKLEGEALEQAIISQAPQVEKLIATTAHERMPWYHSSLTREEAER  
 KLYSGAQT DKGKFLLRPRKEQGTYALSLIYGKTVYHYLISQDKAGKYCIPEGTKFDTLWQ  
 35 IVEYLK LKADGLIYCLKEACPNSSASNASGAAAPTLP AHPSTLTHPSGGGGSGGGGSGG  
 GSGGGGSAEEMEVS LAKPKHRVTMNEFEYLKLLGKGTFGKVILVKEKATGRYYAMK  
 ILKKEVIVAKDEVAHTLTENRVLQNSRHPFLTALKYSFQTHDRLCFVMEYANGGELFFH  
 LSRERV FSEDRARFYGAEIVSALDYHSEKNVVYRDLKLENLMLDKDGHKITDFGLCK  
 EGIKDGATMKTFCGTPEYLAPEVLEDNDYGRAVDWWGLGVVMYEMMCGRLPFYNQD  
 40 HEKLFELILMEEIRFPRTLGP EAKSLLSGLLKKDPKQRLGGGSEDAKEIMQHRFFAGIVW  
 QHVYEKKLSPPFKPQVTSETDTRYFDEEFTAQMITITPPDQDDSMECVDSERRPHFPQFS  
 YSASGTA

SEQ ID NO: 49 - ZAP70, подвергнутый мутагенезу для придания нефункциональности  
 и слитый с киназным доменом Akt

MPDPA AHL PFFYGSISR AEAEHLKLAGMADGLFLLRQCLRSLGGYVLSLVHDVRFH  
 HFPIERQLNGTYAIAGGKAHCGPAELCEFYSRDPDGLPCNLRKPCNRPSGLEPQPGVFDC  
 LRDAMVRD YVRQ TWKLEGEALEQAIISQAPQVEKLIATTAHERMPWYHSSLTREEAER  
 KLYSGAQT DKGKFLLRPRKEQGTYALSLIYGKTVYHYLISQDKAGKYCIPEGTKFDTLWQ

IVEYLKCLKADGLIYCLKEACPNSSASNASGAAAPTLPAPSTLTHPAEEMEVSLAKPKH  
 RVTMNEFEYLKLLGKGTFGKVILVKEKATGRYYAMKILKKEVIVAKDEVAHTLTENRV  
 LQNSRHPFLTALKYSFQTHDRLCFVMEYANGGELFFHLSRERVFSEDRARFYGAEIVSA  
 LDYLHSEKNVVYRDLKLENLMLDKDGHKITDFGLCKEGIKDGATMKTFCGTPEYLAP  
 5 EVLEDNDYGRAVDWWGLGVVMEYEMMCGRLPFYNQDHEKLFELILMEEIRFPRTLGP  
 AKSLLSGLLKDPKQRLGGGSEDAKEIMQHRFFAGIVWQHVEKKLSPPFKPQVTSETD  
 TRYFDEEFTAQMITITPPDQDDSMECVDSERRPHFPQFSYSASGTA

SEQ ID NO: 62 - двойной домен SH2 SHP-2, слитый с киназным доменом Akt

WFHPNITGVEAENLLLTRGVDGSFLARPSKSNPGDFTLSVRRNGAVTHIKIQNTGDY  
 10 YDLYGGEKFATLAELVQYYMEHHGQLKEKNGDVIELKYPLNCADPTSERWFHGHLSG  
 KEAEKLLTEKGKHGSFLVRESQSHPGDFVLSVRTGDDKGESNDGKSKVTHVMIRCQEL  
 KYDVGGGERFDSLTDLVEHYKKNPMVETLGTVLQLKQPLNTRINAEEMEVSLAKPKH  
 RVTMNEFEYLKLLGKGTFGKVILVKEKATGRYYAMKILKKEVIVAKDEVAHTLTENRV  
 LQNSRHPFLTALKYSFQTHDRLCFVMEYANGGELFFHLSRERVFSEDRARFYGAEIVSA  
 15 LDYLHSEKNVVYRDLKLENLMLDKDGHKITDFGLCKEGIKDGATMKTFCGTPEYLAP  
 EVLEDNDYGRAVDWWGLGVVMEYEMMCGRLPFYNQDHEKLFELILMEEIRFPRTLGP  
 AKSLLSGLLKDPKQRLGGGSEDAKEIMQHRFFAGIVWQHVEKKLSPPFKPQVTSETD  
 TRYFDEEFTAQMITITPPDQDDSMECVDSERRPHFPQFSYSASGTA

Слитый белок может содержать последовательность, представленную как любая из  
 20 SEQ ID NO: 47-49 или 62 или ее вариант, имеющий по меньшей мере 80, 85, 90, 95, 98  
 или 99% идентичности последовательности.

Киназа Janus (JAK) относится к семейству внутриклеточных, нерецепторных  
 тирозинкиназ, передающих цитокин-опосредованные сигналы через путь JAK-STAT.  
 Четырьмя членами семейства JAK являются: киназа Janus 1 (JAK1); киназа Janus 2 (JAK2);  
 25 киназа Janus 3 (JAK3) и тирозинкиназа 2 (TYK2).

SEQ ID NO: 50 - Киназа, содержащая домен JAK2

RNEDLIFNESLGQGTFTKIFKGVRRVGDYGQLHETEVLLKVLDKAHRNYSSESFFEA  
 ASMMSKLSHKHLVNLNYGVCVCGDENILVQEFVKFGSLDTYLKKNKNCINILWKLEVAK  
 QLAWAMHFLEENTLIHGNVCAKNILLIREEDRKTGNPPFIKLSDPGISITVLPKDILQERIP  
 30 WVPPECIENPKNLNLATDKWSFGTTLWEICSGGDKPLSALDSQRKLQFYEDRHQLPAPK  
 WAELANLINNCMDYEPDFRPSFRAIIRDLNSLFTPDYELLTENDMLPNMRIGALGFSGAF  
 EDRDPTQFEERHLKFLQQLGKGNFGSVEMCRYDPLQDNTGEVVAVKKLQHSTEEHLRD  
 FEREIEILKSLQHDNIVKYKVCYSAGRRNLKLIMEYLPYGSLRDYLQKHKERIDHIKLL  
 QYTSQICKGMEYLGTKRYIHRDLATRNILVENENRVKIGDFGLTKVLPQDKEYYKVKEP  
 35 GESPIFWYAPESLTESKFSVASDVWSFGVLYELFTYIEKSKSPPAEFMRMIGNDKQGGQ  
 MIVFHLIELLKNNGRRLPRPDGCPDEIYMIMTECWNNNVNQRPSFRDLALRVDQIRDNM

#### ПРОТЕАЗНЫЙ ДОМЕН

Настоящее изобретение также относится к слитому белку, содержащему (i) домен  
 SH2 из белка, связывающегося с ITAM- или ITIM-содержащим белком, и (ii) протеазный  
 40 домен.

Протеазный домен может представлять собой любую протеазу, способную  
 расщеплять по специфической последовательности распознавания. В связи с этим,  
 протеазный домен может представлять собой любую протеазу, делающую возможной  
 расщепление одного полипептида-мишени на два разных полипептида посредством  
 45 расщепления по специфической последовательности-мишени.

Протеазный домен может являться протеазным доменом вируса гравировки табака  
 (TeV).

Протеаза TeV является высокоспецифичной в отношении последовательности



цистеиновой протеазой, являющейся химотрипсин-подобной протеазой. Она очень специфична для своего целевого участка расщепления, и, таким образом, ее часто используют для контролируемого расщепления слитых белков *in vitro* и *in vivo*. Консенсусным участком расщепления TeV является ENLYFQVS (где "V" означает расщепляемую пептидную связь). Клетки млекопитающих, такие как клетки человека, не экспрессируют эндогенную протеазу TeV.

Таким образом, участок расщепления TeV представлен как SEQ ID NO: 51.

SEQ ID NO: 51 - участок расщепления TeV

ENLYFQS

Протеазный домен TeV представлен как SEQ ID NO: 52.

SEQ ID NO: 52

SLFKGPRDYNPISSTICHLTNESDGHTTSLYGIGFGPFIITNKHLFRRNNGTLLVQSLHG  
VFKVKNTTTLQQHLIDGRDMMIIRMPKDFPPFPQKLKFREPQREERICLVTTNFQTKSMSS  
MVSDTSCTFPSSDGIFWKHWIQTGDGQCGSPLVSTRDGFIVGIHSASNFTNTNNTNYFTSV  
KNFMELLTNQEAQQWVSGWRLNADSVLWGGHKVFMSKPEEPFQPVKEATQLMNELY  
YSQ

Таким образом, протеазный домен может являться последовательностью, представленной как SEQ ID NO: 52 или ее вариант, имеющий по меньшей мере 80, 85, 90, 95, 98 или 99% идентичности последовательности, или содержать ее, при условии, что последовательность обеспечивает эффективную протеазную функцию.

В качестве примера, слитый белок может являться последовательностью, представленной как SEQ ID NO: 53 или 54, содержащую домен SH2 ZAP70, слитый с последовательностью протеазы TEV, или домен SH2 PTPN6, слитый с последовательностью протеазы TEV; соответственно, или содержать ее.

SEQ ID NO: 53

MPDPAHLPPFFYGSISRAEAEHLKLAGMADGLFLLRQCLRSLLGGYVLSLVHDVRFH  
HFPIERQLNGTYAIAGGKAHCGPAELCEFYSRDPDGLPCNLKPCNRPSGLEPQPGVFD  
LRDAMVRDYVRQTWKLEGEALEQAIISQAPQVEKLIATTAHERMPWYHSSSLTREEAER  
KLYSGAQTGDGKFLRPRKEQGTYSLSLIYGKTVYHYLISQDKAGKYCIPEGTKFDTLWQ  
LVEYLKADGLIYCLKEACPNSSASNASGAAPTLPAPSTLTHPSGGGGSGGGGSGG  
GGSGGGGSSSLFKGPRDYNPISSTICHLTNESDGHTTSLYGIGFGPFIITNKHLFRRNNGTL  
LVQSLHGVFKVKNTTTLQQHLIDGRDMMIIRMPKDFPPFPQKLKFREPQREERICLVTTNF  
QTKSMSSMVSDTSCTFPSSDGIFWKHWIQTGDGQCGSPLVSTRDGFIVGIHSASNFTNTN  
NYFTSVKPNFMELLTNQEAQQWVSGWRLNADSVLWGGHKVFMSKPEEPFQPVKEATQ  
LMNELYVSQ

SEQ ID NO: 54

MVRWFHRDLGLDAETLLKGRGVHGSFLARPSRKNQGDLSVVRVGDQVTHIRIQN  
SGDFYDLYGGEKFATLTVEYYTQQQGVLDQDRDGTIIHLKYPLNCSDPTSERWYHGH  
MSGGQAETLLQAKGEPWTFVLVRESLSQPGDFVLSVSDQPKAGPGSPLRVTHIKVMCE  
GGRYTVGGLETFDLVEHFKKTGIEEASGAFVYLRQPYYSGGGGSSSLFKGPRDYNP  
ISSTICHLTNESDGHTTSLYGIGFGPFIITNKHLFRRNNGTLLVQSLHGVFKVKNTTTLQQ  
HLIDGRDMMIIRMPKDFPPFPQKLKFREPQREERICLVTTNFQTKSMSSMVSDTSCTFPSS  
DGIFWKHWIQTGDGQCGSPLVSTRDGFIVGIHSASNFTNTNNTNYFTSVKPNFMELLTNQ  
EAQQWVSGWRLNADSVLWGGHKVFMSKPEEPFQPVKEATQLMNELYVSQ

Слитый белок может содержать последовательность, представленную как SEQ ID NO: 53 или 54 или ее вариант, имеющий по меньшей мере 80, 85, 90, 95, 98 или 99% идентичности последовательности.

Домен SH2 и гетерологичный домен слитого белка можно разделять линкером для

пространственного разделения домена SH2 и гетерологичного домена.

### ТРАНСКРИПЦИОННЫЙ СИГНАЛ

Слитый белок, содержащий протеазу, как описано в предыдущем разделе, может коэкспрессироваться в клетке с мембраносвязанным белком, имеющим участок расщепления протеазой. Расщепление мембраносвязанного белка по участку расщепления протеазой будет высвобождать дистальную по отношению к мембране часть белка.

Мембраносвязанный белок может являться, например, мембраносвязанным фактором транскрипции. Когда происходит расщепление, фактор транскрипции высвобождается от своей связи и свободен для транспорта в ядро.

Слияние между SH2 ZAP70 или доменом SH2 PTPN6 и протеазным доменом будет приводить к проксимальному в отношении мембраны рекрутированию протеазы после фосфорилирования ITAM или ITIM, соответственно.

Фосфорилирование доменов ITAM или ITIM приводит к рекрутированию SH2 ZAP70 или SH2 PTPN6, слитого с протеазным доменом, соответственно, в проксимальной по отношению к мембране области. Это приводит к отщеплению фактора транскрипции от его связи и транспорту в ядро. Это может иметь различное применение: например, после активации Т-клетку можно запрограммировать для экспрессии факторов транскрипции, действующих, предотвращая дифференцировку Т-клетки. Например, после активации Т-клетку можно запрограммировать для экспрессии цитокина, такого как ИЛ-2, ИЛ-7 или ИЛ-15, который может стимулировать пролиферацию или выживание Т-клетки, или ИЛ-12, который может преобразовывать неблагоприятное опухолевое микроокружение в то, которое будет более благоприятно для иммунного отторжения опухоли.

В частности, настоящее изобретение относится к клетке, коэкспрессирующей:

- (i) слитый белок, содержащий домен SH2 из белка, связывающегося с фосфорилированным ITAM; и
  - (ii) мембраносвязанный фактор транскрипции
- где фактор транскрипции при высвобождении из мембранной связи повышает экспрессию ИЛ-2, ИЛ-7 и/или ИЛ-15 в клетке.

Настоящее изобретение также относится к клетке, коэкспрессирующей:

- (i) слитый белок, содержащий домен SH2 из белка, связывающегося с фосфорилированным ITIM; и
  - (ii) мембраносвязанный фактор транскрипции
- где фактор транскрипции при высвобождении из мембранной связи повышает экспрессию ИЛ-12 в клетке.

Участок распознавания протеазой

Участок распознавания протеазой может являться любой аминокислотной последовательностью, позволяющей протеазному домену слитого белка специфически расщеплять мембраносвязанный фактор транскрипции между мембранной связью и фактором транскрипции. Например, в одном из вариантов осуществления протеазный домен является протеазным доменом TeV, и участок распознавания протеазой является участком распознавания протеазой TeV.

Мембранная связь

Мембранная связь может являться любой последовательностью, сигналом или доменом, способным локализовать фактор транскрипции и участок распознавания протеазой проксимально к мембране. Например, мембранная связь может являться сигналом миристоилирования или трансмембранным доменом.

Соответственно, трансмембранный домен может являться любой белковой структурой, термодинамически стабильной в мембране. Как правило, он является альфа-спиралью, состоящей из нескольких гидрофобных остатков. Для получения трансмембранной части можно использовать трансмембранный домен из любого трансмембранного белка. Наличие и длину трансмембранного домена белка могут определять специалисты в этой области с использованием алгоритма ТМНММ (<http://www.cbs.dtu.dk/services/TMHMM-2.0/>). Кроме того, учитывая, что трансмембранный домен белка является относительно простой структурой, т.е. полипептидной последовательностью, которая, как прогнозируют, будет образовывать гидрофобную альфа-спираль достаточной длины, чтобы перекрывать мембрану, также можно использовать искусственно сконструированный домен ТМ (в патенте США № 7052906 В1 описывают синтетические трансмембранные компоненты).

Трансмембранный домен можно получать из CD28, что приводит к хорошей стабильности.

#### Фактор транскрипции

Фактор транскрипции может являться любым фактором транскрипции, выбранным для стимуляции желаемого ответа после фосфорилирования соответствующих мотивов ITAM или ITIM.

Транскрипционный фактор может являться природным или искусственным.

Искусственные факторы транскрипции можно получать, например, из TALEN, структур с цинковыми пальцами или CrispR/CAS9, последний из которых коэкспрессируется с гидовой мРНК.

Предпочтительно, фактор транскрипции будет содержать сигнал ядерной локализации, чтобы облегчить его транспортировку к нуклеазе после расщепления протеазным доменом.

В качестве примера, последовательность нуклеиновой кислоты (ii) (кодирующая белок, содержащий мембраносвязанный фактор транскрипции, содержащий: (i) мембранную связь; (ii) участок распознавания протеазой и (iii) фактор транскрипции) может кодировать белок, состоящий из последовательности, представленной как SEQ ID NO: 55, содержащей домен RQR8; трансмембранный домен CD4-Endotox1, участок распознавания протеазой TEV и фактор транскрипции VP16-GAL4, или содержащий ее.

SEQ ID NO: 55

MGTSLLCWMALCLLGADHADACPYSNPSLCSGGGGSELPTQGTFSNVSTNVSPAKP  
TTTACPYSNPSLCSGGGGSPAPRPPTPAPTIASQPLSLRPEACRPAAGGAVHTRGLDFAC  
DMALIVLGGVAGLLLLFIGLGIFFCVRCRHHRRRQAERMAQIKRVVSEKKTAAQAPHRFQKT  
CSPISGGGGSENLYFQMPKKKRKVAPPTDVS LGDELHLDGEDVAMAHADALDDFDLD  
MLGDGDSPGPGFTPHDSAPYGALDMADFEFEQMFTDALGIDEYGGSGGGGSMQILV ASD  
ATMKLLSSIEQACDICRLKKLKCSKEKPKCAKCLKNNWECRYSPKTKRSPLTRAHLTEV  
ESRLERLEQLFLLIFPREDLDMILKMDSLQDIKALLTGLFVQDNV NKDAVTDRLASVET  
DMPLTLRQHRISATSSSEESSNKGQRQLTV

Соответственно, белок может содержать последовательность, представленную как SEQ ID NO: 55 или ее вариант, имеющий по меньшей мере 80, 85, 90, 95, 98 или 99% идентичности последовательности.

#### РЕЦЕПТОР

Настоящее изобретение дополнительно относится к конструкции нуклеиновой кислоты, содержащей (а) последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую слитый белок по первому аспекту настоящего изобретения, содержащий домен SH2

РTPN6, или укороченный белок по третьему аспекту настоящего изобретения; и (b) последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую рецептор, содержащий ITIM-содержащий эндодомен.

### СТЕРИЛИЗУЮЩИЙ СИГНАЛ

5 Слитый белок, содержащий протеазу, как описано выше, может коэкспрессироваться в клетке с рецептором-мишенью, содержащим внутриклеточный участок расщепления протеазой. Расщепление рецептора-мишени по участку распознавания протеазой будет высвобождать внутриклеточную, дистальную по отношению к мембране часть рецептора-мишени.

10 Рецептор-мишень, например, может являться Т-клеточным рецептором (TCR) или химерным антигенным рецептором (CAR).

Рецептор может содержать активирующий или костимуляторный эндодомен, расположенный на конце внутриклеточной части белка. Затем расщепление по участку расщепления протеазой приводит к удалению активирующего или костимуляторного 15 эндодомена из целевого CAR, снижению или предотвращению опосредуемой рецептором-мишенью активации Т-клеток.

Альтернативно, рецептор-мишень может содержать ингибиторный эндодомен, расположенный на конце внутриклеточной части белка. Затем расщепление по участку расщепления протеазой приводит к удалению ингибиторного эндодомена из целевого 20 CAR, "включению" потенциала для опосредуемой рецептором-мишенью активации Т-клеток.

Ингибиторный эндодомен, например, может содержать эндодомен CD148 или CD45 или ITIM-содержащий эндодомен из белка, такого как PD1, PDCD1, BTLA4, LILRB1, LAIR1, CTLA4, KIR2DL1, KIR2DL4, KIR2DL5, KIR3DL1 или KIR3DL3.

25 В качестве примера, рецептор-мишень может содержать последовательность, представленную как SEQ ID NO: 56, содержащую CAR против CD33, содержащий эндодомен ITIM из PD-1.

SEQ ID NO: 56

30 MAVPTQVLGLLLLWLTDARCDIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASEDIYFNLVWYQ  
QKPGKAPKLLIYDTNRLADGVPSRFSGSGSGTQYTLTISSLQPEDFATYYCQHYKNYPLT  
FGQGKLEIKRSGGGGSGGGGSGGGGSGGGGSRSEVQLVESGGGLVQPGGSLRLSCAA  
SGFTLSNYGMHWIRQAPGKGLEWVSSISLNGGSTYYRDSVKGRFTISRDNASTLYLQM  
NSLRAEDTAVYYCAAQDAYTGGYFDYWGQGTLYTVSSMDPATTTKPVLRTPSPVHPT  
GTSQPQRPEDCRPRGSVKGTGLDFACDIYVGTVGGLLGSLVLLVWVLAVICSRAARGTI  
35 GARRTGQPLKEDPSAVPVFSVDYGELDFQWREKTPEPPVPCVPEQTEYATIVFPSGMGT  
SSPARRGSADGPRSAQPLRPEDGHCSWPL

Соответственно, белок может содержать последовательность, представленную как SEQ ID NO: 56 или ее вариант, имеющий по меньшей мере 80, 85, 90, 95, 98 или 99% идентичности последовательности.

40 Если рецептор содержит участок расщепления протеазой между трансмембранным доменом и активирующим эндодоменом, слитый белок со стерилизующим сигналом можно использовать для ингибирования рецептора. Например, первый CAR можно конструировать таким образом, что его эндодомен отделен от трансмембранного домена участком расщепления протеазой. Второй CAR, распознающий другой антиген, 45 может содержать ITIM-содержащий эндодомен. Распознавание когнатного антигена второго рецептора будет приводить к рекрутированию слитого белка со стерилизующим сигналом к мембране и последующему расщеплению по участку распознавания протеазой. Такое расщепление будет отделять активирующий эндодомен от первого

рецептора и предотвращать активацию и распространение сигнала от указанного рецептора.

Это будет приводить к логическому элементу типа "И НЕТ", когда поддерживаемый сигнал будет передаваться, только если первый CAR активирован в изоляции (т.е. если первый CAR связан со своим когнатным антигеном, но второй CAR не связывается со своим когнатным антигеном). Такие "логические элементы" могут быть полезны, например, т.к. это относительно редко встречается, чтобы наличие (или отсутствие) одного антигена эффективно определяло злокачественное новообразование, что может приводить к отсутствию специфичности. Направленное воздействие на экспрессию антигена на нормальных клетках приводит к специфической для мишени, внеопухолевой токсичности. При некоторых злокачественных новообразованиях опухоль лучше всего определяется наличием одного антигена, (как правило, тканеспецифического антигена) и отсутствием другого антигена, присутствующего на нормальных клетках. Например, клетки острого миелолейкоза (AML) экспрессируют CD33. Нормальные стволовые клетки экспрессируют CD33, но также экспрессируют CD34, в то время как клетки AML, как правило, являются CD34-отрицательными. Направленное воздействие CD33 в отдельности для лечения AML ассоциировано со значительной токсичностью, т.к. оно истощает нормальные стволовые клетки. Однако подвергаемые специфическому воздействию клетки, являющиеся CD33-положительными, но не CD34-положительными, будут избегать этой значительной неспецифической для мишени токсичности.

Потенциальные пары антигенов для такого элемента "И НЕТ" представлены в таблице 2.

**Таблица 2**

Заболевание	ТАА	Нормальная клетка, экспрессирующая ТАА	Антиген, экспрессируемый нормальной клеткой, но не злокачественной клеткой
AML	CD33	Стволовые клетки	CD34
Миелома	BCMA	Дендритные клетки	CD1c
B-CLL	CD160	Естественные киллеры	CD56
Рак предстательной железы	PSMA	Нервная ткань	NCAM
Колоректальный рак	A33	Эпителий нормального кишечника	HLA класс I

В качестве примера, рецептор, содержащий участок расщепления протеазой, между трансмембранным доменом и активирующим эндодоменом может являться последовательностью, представленной как SEQ ID NO: 57, содержащей CAR против CD19 с расщепляемым эндодоменом CD3 дзета.

SEQ ID NO: 57

MSLPVTALLLPLALLLHAARPDIQMTQTSSLSASLGDRVTISCRASQDISKYLNWYQ  
QKPDGTVKLLIYHTSRLHSGVPSRFSGSGSGTDYSLTISNLEQEDIATYFCQQGNTLPYTF  
GGGTKLEITKAGGGGSGGGGSGGGGSGGGGSEVKLQESGPGLVAPSQSLSVTCTVSGV  
SLPDYGVSWSIRQPPRKGLEWLGVIWGSETTYNSALKSRLTIKDNSKSQVFLKMNSLQ  
TDDTAIYYCAKHYYYGGSYAMDYWGQTSVTVSSDPTTTPAPRPPTPAPTIASQPLSLR  
PEACRPAAGGAVHTRGLDFACDIFWVLVVGGVLACYSLLVTVAFIIFWVRCRHHRRRQ  
AERMAQIKRVVSEKKTAQAPHRFQKTCSPISGGGGSENLYFQMRRVKFSRSADAPAYQ  
QGQNQLYNELNLGRREEYDVLDKRRGRDPEMGGKPRRKNPQEGLYNELQKDKMAEA  
YSEIGMKGERRRGKGHDGLYQGLSTATKDTYDALHMQALPPR

Соответственно, рецептор может содержать последовательность, представленную как SEQ ID NO: 57 или ее вариант, имеющий по меньшей мере 80, 85, 90, 95, 98 или 99% идентичности последовательности.

Если рецептор содержит активирующий эндодомен, слитый с ингибиторным

эндодоменом через участок расщепления протеазой, слитый белок со стерилизующим сигналом можно использовать для активации искусственных сигнальных доменов.

Например, первый CAR можно конструировать таким образом, чтобы его эндодомен содержал активирующий эндодомен, слитый с ингибиторным эндодоменом через участок расщепления протеазой. Второй CAR, распознающий другой антиген, может содержать ITIM-содержащий эндодомен. Распознавание когнатного антигена второго рецептора будет приводить к рекрутированию слитого белка со стерилизующим сигналом к мембране и последующему отщеплению ингибиторного эндодомена от активирующего эндодомена первого рецептора. Расщепление и, таким образом, отделение ингибиторного домена от активирующего домена делает возможной активацию первого CAR после связывания антигена и, таким образом, активации передачи сигнала через первый рецептор.

Это будет приводить к получению логического элемента CAR типа "И", в котором продуктивная передача сигнала будет происходить, только если оба, первый и второй, рецепторы активированы. Такие "логические элементы" являются полезными, например, т.к. большинство злокачественных новообразований нельзя отличить от нормальных тканей с учетом одного антигена. Таким образом, имеет место значительная "специфическая в отношении мишени, внеопухолевая" токсичность, в результате чего нормальные ткани повреждаются при терапии. В случае некоторых злокачественных новообразований направленное воздействие при наличии двух антигенов злокачественных опухолей может быть более селективным и, таким образом, эффективным, чем направленное воздействие на один. Например, хронический В-клеточный лимфоцитарный лейкоз (В-CLL) является распространенным лейкозом, который в настоящее время лечат посредством направленного воздействия на CD19. Таким образом лечат лимфому, но это также истощает весь В-клеточный компартмент таким образом, что лечение имеет значительный токсический эффект. В-CLL имеет необычный фенотип, в котором коэкспрессируются CD5 и CD19. При направленном воздействии только на клетки, экспрессирующие CD5 и CD19, можно будет значительно снижать специфическую в отношении мишени, внеопухолевую токсичность.

Потенциальные пары антигенов для такого логического элемента "И" представлены в таблице 3.

**Таблица 3**

Тип злокачественного новообразования	Антигены
Хронический лимфоцитарный лейкоз	CD5, CD19
Нейробластома	ALK, GD2
Глиома	EGFR, виментин
Множественная миелома	BCMA, CD138
Почечноклеточная карцинома	Карбоангидраза IX, G250
T-ALL	CD2, N-кадгерин
Рак предстательной железы	PSMA, гепсин (или другие)

В качестве примера, рецептор, содержащий активирующий эндодомен, слитый с ингибиторным эндодоменом через участок расщепления протеазой, может являться последовательностью, представленной как SEQ ID NO: 58, содержащей CAR против CD19 с эндодоменом CD3 дзета и расщепляемым эндодоменом CD148.

SEQ ID NO: 58

MSLPVTALLPLALLLHAARPDIQMTQTSSLSASLGDRVITISCRASQDISKYLNWYQ  
QKPDGTVKLLIYHTSRLHSGVPSRFSGSGSGTDYSLTISNLEQEDIATYFCQQGNTLPYTF  
GGGTTKLEITKAGGGGSGGGGSGGGGSGGGGSEVKLQESGPGLVAPSQSLSVTCTVSGV

SLPDYGVSWIRQPPRKGLEWLGVWGSSETTYYN SALKSRLTIHKDNSKSQVFLKMNSLQ  
 TDDTAIYYCAKHYYYGGSYAMDYWGQGTSTVTVSSDPTTTPAPRPPTPAPTIASQPLSLR  
 PEACRPAAGGAVHTRGLDFACDIFWVLVVGGVLACYSLLVTVAFIIFWVRRVKFSRS  
 ADAPAYQQGQNQLYNELNLGRREEYDVLDKRRGRDPEMGGKPRRKNPQEGLYNELQ  
 5 KDKMAEAYSEIGMKGERRRGKGDGLYQGLSTATKDTYDALHMQALPPRENLYFQM  
 AVFGCIFGALVIVTVGGFIFWRKKRKDAKNNEVSFSQIKPKKSKLIRVENFEAYFKKQQ  
 ADSNCGFAEEYEDLKLVGISQPKYAAELAENRGKNRYNNVLPYDISRVKLSVQTHSTD  
 DYINANYMPGYHSSKDFIATQGPLPNTLKDFWRMVWEKNVYAIIMLTCKVEQGRTKC  
 EEYWPSKQAQDYG DITVAMTSEIVLPEWTIRDFTVKNIQTSESHPLRQFHFTSWPDHGV  
 10 PDTDDLINFRYLVRDYMKQSPPEPILVHCSAGVGRGTGTFAIDRLIYQIENENTVDVYG  
 IVYDLRMHRPLMVQTEDQYVFLNQCVDIVRSQKDSKVDLIYQNTTAMTIYENLAPVT  
 TFGKTINGYIA

Соответственно, рецептор может содержать последовательность, представленную как SEQ ID NO: 58 или ее вариант, имеющий по меньшей мере 80, 85, 90, 95, 98 или 99% идентичности последовательности.

### БЛОКИРУЮЩИЙ СИГНАЛ

Настоящее изобретение относится к укороченному белку, содержащему домен SH2 из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым активирующим мотивом (ITAM), но в котором отсутствует киназный домен

Например, укороченный белок может содержать домен SH2 ZAP70, но в нем отсутствует киназный домен ZAP70. Другими словами, настоящее изобретение относится к укороченному белку, который: (i) содержит последовательность, представленную как SEQ ID NO: 2, но не содержащую последовательность, представленную как SEQ ID NO: 26.

Гиперэкспрессия домена SH2 ZAP70 приводит к конкуренции с полноразмерным ZAP70/ZAP70 дикого типа. Т.к. укороченный ZAP70 не может распространять сигналы, передача сигнала снижена пропорционально соотношению ZAP70 дикого типа и укороченного белка. Полезным может являться снижение силы активации Т-клеток, например, для предотвращения гиперактивации Т-клеток, которая может приводить к истощению Т-клеток, индуцируемой активацией гибели клеток и, в клинических условиях, к цитокиновым бурям.

Настоящее изобретение также относится к укороченному белку, содержащему домен SH2 из белка, связывающегося с фосфорилированным иммунорецепторным тирозиновым ингибирующим мотивом (ITIM), но в котором отсутствует фосфатазный домен

Например, укороченный белок может содержать домен SH2 PTPN6, но в нем отсутствует фосфатазный домен PTPN6. Другими словами, настоящее изобретение относится к укороченному белку, который: (i) содержит последовательность, представленную как SEQ ID NO: 6, но не содержащую последовательность, представленную как SEQ ID NO: 27.

В этом случае, передачу сигнала ITIM можно снижать пропорционально соотношению PTPN6 дикого типа и укороченного белка. Полезным может являться снижение ингибиторных сигналов, таких как сигнал PD1. Это может быть применимым, когда Т-клетки направлены воздействовать на опухоль, гиперэкспрессирующую PDL1 (или схожие ингибиторные рецепторы) для избегания иммунного отторжения.

Использование блокирующего сигнала или перекрестного сигнала, как описано выше, имеет значительное преимущество по сравнению с общепринятыми подходами блокады иммунных контрольных точек, когда, как правило, блокируют одно взаимодействие лиганд/рецептор, такое как PD-L1/PD1, с использованием антитела.

Как описано выше, класс ингибиторных иммунных рецепторов содержит множество членов с избыточностью и профилями экспрессии, колеблющимися в зависимости от состояния Т-клеток. Использование антитела или рекомбинантного лиганда/рецептора может эффективно блокировать один ингибиторный рецептор, но не будет влиять на ингибиторные сигналы, передаваемые от остальных. Геномное редактирование отдельных ингибиторных рецепторов (Menger et al, Cancer Res. 2016 Apr 15;76(8):2087-93) обладает схожими ограничениями. Стратегии слияния между отдельными ингибиторными рецепторами и костимуляторными доменами также обладает схожими ограничениями (Liu et al, Cancer Res. 2016 Mar 15;76(6):1578-90).

С помощью способа по настоящему изобретению будут блокировать (и в зависимости от стратегии реинтерпретировать) ингибиторные сигналы, передаваемые через ITIM. Таким образом, модулируют целый класс ингибиторных сигналов. Список ингибиторных рецепторов, передающих сигнал через ITIM, представлен в таблице II в Odorizzi and Wherry (2012) J. Immunol. 188:2957-2965. Они включают: PD1, BTLA, 2B4, CTLA-4, GP49B, Lair-1, Pir-B, PECAM-1, CD22, Siglec 7, Siglec 9, KLRG1, ILT2, CD94-NKG2A и CD5.

### НУКЛЕИНОВАЯ КИСЛОТА

В одном из аспектов настоящее изобретение относится к нуклеиновой кислоте, кодирующей слитый белок или укороченный белок по настоящему изобретению.

В рамках изобретения термины "полинуклеотид", "нуклеотид" и "нуклеиновая кислота" должны быть синонимичными друг другу.

Специалисту в этой области будет понятно, что многочисленные различные полинуклеотиды и нуклеиновые кислоты могут кодировать один полипептид в результате вырожденности генетического кода. Кроме того, специалистам в этой области понятно, что с использованием рутинных способов можно осуществлять замены нуклеотидов, не влияющих на последовательность полипептида, кодируемую описанными полинуклеотидами, для отражения использования кодонов любого конкретного организма-хозяина, в котором полипептиды должны экспрессироваться.

Нуклеиновые кислоты по изобретению могут содержать ДНК или РНК. Они могут являться одноцепочечными или двухцепочечными. Они также могут являться полинуклеотидами, включающими синтетические или модифицированные нуклеотиды. В этой области известен ряд различных типов модификаций олигонуклеотидов. Они включают метилфосфонатные и фосфотиоатные остовы, добавление акридина или полилизиновых цепей на 3'- и/или 5'-концы молекулы. В целях использования, как представлено в настоящем описании, следует понимать, что полинуклеотиды можно модифицировать любым способом, доступным в этой области. Такие модификации можно осуществлять для повышения активности *in vivo* или продолжительности жизни интересующих полинуклеотидов.

Термины "вариант", "гомолог" или "производное" в отношении нуклеотидной последовательности включают любую замену, вариант, модификацию, делецию или добавление одной (или более) нуклеиновой кислоты из последовательности или в нее.

### КОНСТРУКЦИЯ НУКЛЕИНОВОЙ КИСЛОТЫ

В одном из аспектов настоящее изобретение относится к конструкции нуклеиновой кислоты, коэкспрессирующей укороченный белок или слитый белок по настоящему изобретению с другим белком. Конструкция нуклеиновой кислоты может содержать: последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую укороченный белок или слитый белок по настоящему изобретению; и нуклеиновую кислоту, кодирующую другой белок.

Настоящее изобретение относится к конструкции нуклеиновой кислоты, коэкспрессирующей укороченный белок или слитый белок по настоящему изобретению



с химерным антигенным рецептором. Конструкция нуклеиновой кислоты может содержать: (i) последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую укороченный белок или слитый белок по настоящему изобретению; и (ii) нуклеиновую кислоту, кодирующую химерный антигенный рецептор.

5 Химерный антигенный рецептор (CAR) может являться активирующим CAR, содержащим ITAM-содержащий эндодомен, такой как CD3 дзета. CAR может являться ингибиторным CAR, содержащим эндодомен "без лигирования", как описано в WO2015/075469, который может содержать весь или часть эндодомена из рецептор-подобной тирозинфосфатазы, такой как CD148 или CD45. CAR может являться ингибиторным  
10 CAR, содержащим эндодомен "с лигированием", как описано в WO2015/075470, который может содержать домен ITIM.

Слитые белки и укороченные белки по изобретению можно использовать вместе с клеткой, экспрессирующей "логический элемент"-комбинацию двух или более CAR. Логический элемент "ИЛИ" содержит два активирующих CAR, как описано в WO2015/  
15 075468. Логический элемент "И" содержит активирующий CAR и ингибиторный CAR "без лигирования", как описано в WO2015/075469. "И" не содержит активирующий CAR и ингибиторный CAR "с лигированием", как описано в WO2015/075470.

Таким образом, настоящее изобретение относится к конструкции нуклеиновой кислоты, содержащей:

20 (i) последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую укороченный белок или слитый белок по изобретению;  
(ii) первый химерный антигенный рецептор (CAR); и  
(iii) второй химерный антигенный рецептор.

Что касается аспекта транскрипционного сигнала по изобретению, настоящее  
25 изобретение относится к конструкции нуклеиновой кислоты, содержащей (i) последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую слитый белок, содержащий домен SH2; и протеазный домен; и (ii) последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую мембраносвязанный фактор транскрипции, содержащий: мембранную связь; участок распознавания протеазой и фактор транскрипции.

30 Что касается аспекта стерилизующего сигнала по изобретению, настоящее изобретение относится к конструкции нуклеиновой кислоты, содержащей (i) последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую слитый белок, содержащий домен SH2 и протеазный домен (например, TeV-домен); и (ii) последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую рецептор, содержащий участок расщепления  
35 протеазой.

Например, настоящее изобретение относится к конструкции нуклеиновой кислоты, содержащей: (a) последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую слитый белок, содержащий (i) домен SH2 PTPN6; и (ii) протеазный домен (например, TeV-домен); (b) последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую рецептор, содержащий участок  
40 расщепления протеазой; и (c) последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую рецептор, содержащий ITIM-содержащий эндодомен.

Рецептор может являться Т-клеточным рецептором (TCR) или химерным антигенным рецептором (CAR).

Соответственно, белок, кодируемый последовательностью нуклеиновой кислоты  
45 (b), может являться Т-клеточным рецептором (TCR) или химерным антигенным рецептором (CAR), содержащим: (i) участок расщепления протеазой между трансмембранным доменом и активирующим эндодоменом; или (ii) активирующий эндодомен, слитый с ингибиторным эндодоменом через участок расщепления протеазой.

Если конструкция нуклеиновой кислоты по изобретению приводит к образованию отдельных полипептидов, как в том случае, когда она коэкспрессирует слитый белок по изобретению и CAR, она также может содержать последовательность нуклеиновой кислоты, делающую возможной экспрессию обоих белков. Например, она может

5 содержать последовательность, кодирующую участок расщепления между двумя последовательностями нуклеиновой кислоты. Участок расщепления может являться саморасщепляющимся, таким образом, что если продуцируется выделяющийся полипептид, он незамедлительно расщепляется на два белка без необходимости какой-либо внешней расщепляющей активности.

10 Известны различные саморасщепляющиеся участки, включая саморасщепляющийся пептид 2а вируса ящура (FMDV), имеющий представленную последовательность:

SEQ ID NO: 59

RAEGRGSLTCDGVEENPGP

или

15 SEQ ID NO: 60

QCTNYALLKLAGDVESNPGP

Коэкспрессируемая последовательность может являться участком внутренней посадки рибосомы (IRES). Коэкспрессируемая последовательность может являться внутренним промотором.

## 20 ХИМЕРНЫЙ АНТИГЕННЫЙ РЕЦЕПТОР (CAR)

CAR, схематически представленные на фигуре 13, являются химерными трансмембранными белками типа I, соединяющими внеклеточный антигенраспознающий домен (связывающее средство) с внутриклеточным сигнальным доменом (эндодоменом). Связывающее средство, как правило, является одноцепочечным вариабельным

25 фрагментом (scFv), полученным из моноклонального антитела (mAb), но оно может быть основано на других форматах, содержащих антитело-подобный антигенсвязывающий участок. Спейсерный домен, как правило, необходим для изоляции связывающего средства от мембраны, и чтобы оно приняло подходящую ориентацию. Распространенным используемым спейсерным доменом является Fc IgG1. Может быть

30 достаточно более компактных спейсеров, например, стеблевой области из CD8α и даже просто шарнирной области IgG1 в отдельности в зависимости от антигена. Трансмембранный домен закрепляет белок в мембране клетки и соединяет спейсер с эндодоменом.

Ранние дизайны CAR содержали эндодомены, полученные из внутриклеточных

35 частей γ-цепи FcεR1 или CD3ζ. Таким образом, эти рецепторы первого поколения передавали иммунологический сигнал 1, достаточный для уничтожения Т-клетками когнатных клеток-мишеней, но не способный полностью активировать Т-клетку для пролиферации и выживания. Для преодоления этого ограничения конструировали составные эндодомены: слияние внутриклеточной части костимуляторной молекулы

40 Т-клетки с таковой из CD3ζ приводит к получению рецепторов второго поколения, которые могут передавать активирующий и костимуляторный сигнал одновременно после распознавания антигена. Наиболее общепотребительным костимуляторным доменом является домен CD28. Он обеспечивает наиболее мощный костимуляторный сигнал, а именно иммунологический сигнал 2, запускающий пролиферацию Т-клеток.

45 Также описаны некоторые рецепторы, включающие эндодомены семейства рецепторов ФНО, таких как близкородственные OX40 и 41BB, передающие сигналы выживания. Описаны даже более мощные CAR третьего поколения, содержащие эндодомены, способные передавать сигналы активации, пролиферации и выживания.

CAR-кодирующие нуклеиновые кислоты можно переносить в Т-клетки с использованием, например, ретровирусных векторов. Можно использовать лентивирусные векторы. Таким образом, можно получать большое количество опухолеспецифических Т-клеток для адоптивного переноса клеток. Когда CAR связывается с антигеном-мишенью, это приводит к передаче активирующего сигнала в Т-клетку, на которой он экспрессируется. Таким образом, CAR направляет специфичность и цитотоксичность Т-клетки на опухолевые клетки, экспрессирующие антиген-мишень.

Таким образом, CAR, как правило, содержат: (i) антигенсвязывающий домен; (ii) спейсер; (iii) трансмембранный домен и (iii) внутриклеточный домен, содержащий сигнальный домен или связанный с ним.

#### АНТИГЕНСВЯЗЫВАЮЩИЙ ДОМЕН

Антигенсвязывающий домен является частью CAR, распознающей антиген. В этой области известно множество антигенсвязывающих доменов, включая домены на основе антигенсвязывающего участка антитела, миметики антитела и Т-клеточные рецепторы. Например, антигенсвязывающий домен может содержать: одноцепочечный переменный фрагмент (scFv), полученный из моноклонального антитела; природный лиганд антигена-мишени; пептид с достаточной аффинностью к мишени; однодоменное антитело; искусственное одиночное связывающее средство, такое как дарпин (сконструированный белок с анкириновыми повторами); или одноцепочечное средство, полученное из Т-клеточного рецептора.

Антигенсвязывающий домен может содержать домен, не основанный на антигенсвязывающем участке антитела. Например, антигенсвязывающий домен может содержать домен на основе белка/пептида, являющегося растворимым лигандом для рецептора поверхности опухолевой клетки (например, растворимым пептидом, таким как цитокин или хемокин); или внеклеточным доменом заякоренного в мембране лиганда или рецептора, партнер по связыванию которого экспрессируется на опухолевой клетке.

Антигенсвязывающий домен может быть основан на природном лиганде антигена. Антигенсвязывающий домен может содержать аффинный пептид из комбинаторной библиотеки или сконструированный *de novo* аффинный белок/пептид.

#### СПЕЙСЕРНЫЙ ДОМЕН

CAR содержат спейсерную последовательность для соединения антигенсвязывающего домена с трансмембранным доменом и пространственного разделения антигенсвязывающего домена из эндодомена. Гибкий спейсер позволяет антигенсвязывающему домену ориентироваться в различных направлениях для облегчения связывания.

В аспектах по настоящему изобретению, когда необходимы два CAR, первый и второй CAR могут содержать различные спейсерные молекулы. Например, спейсерная последовательность может содержать Fc-область IgG1, шарнирную область IgG1 или стеблевую область CD8 человека или стеблевую область CD8 мыши. Альтернативно, спейсер может содержать альтернативную линкерную последовательность, имеющую схожую длину и/или свойства пространственного положения домена с таковыми у Fc-области IgG1, шарнирной области IgG1 или стеблевой области CD8. Спейсер IgG1 человека можно изменять для удаления Fc-связывающих мотивов.

Все спейсерные домены, упомянутые выше, образуют гомодимеры. Однако механизм не ограничен использованием гомодимерных рецепторов и должен работать с мономерными рецепторами при условии, что спейсер является достаточно жестким.

Примером такого спейсера является CD2 или укороченный CD22.

Т.к. CAR, как правило, являются гомодимерами (см. фигуру 13a), перекрестное спаривание может приводить к образованию гетеродимерного химерного антигенного рецептора. Это нежелательно по различным причинам, например: (1) эпитоп может не находиться на том же "уровне" на клетке-мишени таким образом, что перекрестно спариваемый CAR может быть способен связываться лишь с одним антигеном; (2) VH и VL из двух разных scFv могут менять местами и не распознавать мишень или хуже распознавать неожиданный и непрогнозируемый антиген. В случае описываемых выше логических элементов "И" и "И НЕТ", спейсер первого CAR может достаточно отличаться от спейсера второго CAR во избежание перекрестного спаривания, но быть достаточно схожим для колокализации. Можно использовать пары ортологичных спейсерных последовательностей. Примерами являются стеблевые области CD8 мыши и человека или, альтернативно, спейсерные домены, являющиеся мономерными, например, эктодомен CD2.

Примеры колокализирующихся пар спейсеров представлены в следующей таблице:

Спейсер стимуляторного CAR	Спейсер ингибиторного CAR
CD8aSTK человека	CD8aSTK мыши
CD28STK человека	CD8aSTK мыши
Шарнирная область IgG человека	Эктодомен CD3z человека
CD8aSTK человека	CD28STK мыши
CD28STK человек	CD28STK мыши
IgG-шарнирная область-CH2CH3 человек	IgM-шарнирная область-CH2CH3CD4 человека

#### Трансмембранный домен

Трансмембранный домен является последовательностью CAR, пересекающей мембрану.

Трансмембранный домен может являться любой белковой структурой, термодинамически стабильной в мембране. Как правило, он является альфа-спиралью, содержащей несколько гидрофобных остатков. Для получения трансмембранной части по изобретению можно использовать трансмембранный домен из любого трансмембранного белка. Наличие и длину трансмембранного домена белка могут определять специалисты в этой области с использованием алгоритма TMHMM (<http://www.cbs.dtu.dk/services/TMHMM-2.0/>). Кроме того, учитывая, что трансмембранный домен белка является относительно простой структурой, т.е. полипептидной последовательностью, которая, как прогнозируют, будет образовывать гидрофобную альфа-спираль достаточной длины, чтобы пересекать мембрану, также можно использовать искусственно сконструированный ТМ домен (в патенте США № 7052906 В1 описывают синтетические трансмембранные компоненты).

Трансмембранный домен можно получать из CD28, что обеспечивает хорошую стабильность рецептора.

#### АКТИВИРУЮЩИЙ ЭНДОДОМЕН

Эндодомен является частью CAR, передающей сигнал. Он может являться частью или быть связанным с внутриклеточным доменом CAR. После распознавания антигена, рецепторы кластеризуются, нативные CD45 и CD148 исключаются из синапса, и сигнал передается в клетку. Наиболее общеупотребительным эндодоменным компонентом является таковой из CD3 дзета, содержащий 3 ITAM. Он передает активационный сигнал в Т-клетку после связывания антигена. CD3 дзета может не обеспечивать полностью надлежащий активационный сигнал, и может потребоваться дополнительный костимуляторный сигнал. Например, можно использовать химерный CD28 и OX40 с

CD3 дзета для передачи пролиферативного сигнала/сигнала выживания или все три можно использовать совместно.

Если CAR содержит активирующий эндодомен, он может содержать только эндодомен CD3 дзета, эндодомен CD3 дзета с таковым из CD28 или OX40 или эндодомен CD28 и эндодомен OX40 и CD3 дзета.

Любой эндодомен, содержащий мотив ITAM, может действовать как активационный эндодомен по настоящему изобретению. Подходящие эндодомены, содержащие мотив ITAM, представлены в настоящем описании.

### ИНГИБИТОРНЫЙ ДОМЕН

В вариантах осуществления, обозначенных выше как логический элемент "И", первый CAR может содержать активирующий эндодомен, слитый с ингибиторным эндодоменом через участок расщепления протеазой. В связи с этим, ингибиторный эндодомен ингибирует активацию Т-клетки первым CAR в отсутствие активации второго CAR. После активации второго CAR ITIM в эндодоме второго CAR фосфорилируется, и слитый белок RPTN6/протеазный домен рекрутируется к мембране. Это приводит к расщеплению первого CAR между активирующим эндодоменом и ингибиторным эндодоменом, таким образом, делая возможной активацию Т-клеток.

Ингибиторные эндодомены могут содержать любую последовательность, ингибирующую передачу сигнала Т-клеток активирующим CAR, когда он находится в том же эндодоме.

Ингибиторный эндодомен может являться тирозинфосфатазой, такой как рецептор-подобная тирозинфосфатаза, или содержать ее. Ингибиторный эндодомен может являться любой тирозинфосфатазой, способной ингибировать передачу сигнала TCR при колокализации с активирующим эндодоменом CAR, или содержать ее.

Ингибиторный эндодомен может являться любой тирозинфосфатазой с достаточно большой каталитической скоростью для фосфорилированных ITAM, способной ингибировать передачу сигнала TCR при колокализации с активирующим эндодоменом CAR, или содержать ее.

### ВЕКТОР

Настоящее изобретение также относится к вектору или набору векторов, содержащих одну более последовательностей нуклеиновой кислоты или конструкций по настоящему изобретению. Такой вектор можно использовать для встраивания последовательностей нуклеиновой кислоты или конструкций в клетку-хозяина таким образом, что она экспрессирует белки, кодируемые последовательностью нуклеиновой кислоты или конструкцией.

Вектор может являться, например, плазмидой или вирусным вектором, таким как ретровирусный вектор или лентивирусный вектор, или вектором на основе транспозона или синтетической мРНК.

С помощью вектора можно трансфицировать или трансдуцировать Т-клетку.

### КЛЕТКА

Настоящее изобретение также относится к иммунной клетке, содержащей слитый белок, укороченный белок, нуклеиновую кислоту и/или конструкцию нуклеиновой кислоты по настоящему изобретению.

Клетка может являться цитолитической иммунной клеткой.

Цитолитические иммунные клетки могут являться Т-клетками или Т-лимфоцитами, представляющими собой тип лимфоцитов, играющий центральную роль в клеточном иммунитете. Их можно отличать от других лимфоцитов, таких как В-клетки и естественные киллеры (НК-клетки), по наличию Т-клеточного рецептора (TCR) на

поверхности клетки. Существуют различные типы Т-клеток, как описано ниже.

Т-хелперные клетки (ТН-клетки) помогают другим лейкоцитам в иммунологических процессах, включая созревание В-клеток в плазматические клетки и В-клетки памяти и активацию цитотоксических Т-клеток и макрофагов. ТН-клетки экспрессируют CD4 на своей поверхности. ТН-клетки становятся активированными, когда молекулы МНС класса II презентируют им пептидные антигены на поверхности антигенпрезентирующих клеток (АРС). Эти клетки могут дифференцироваться в несколько субпопуляций, включая ТН1, ТН2, ТН3, ТН17, Th9 или TFH, секретирующие различные цитокины для стимуляции различных типов иммунных ответов.

Цитолитические Т-клетки (ТС-клетки или CTL) разрушают инфицированные вирусом клетки и опухолевые клетки и также участвуют в отторжении трансплантата. CTL экспрессируют CD8 на своей поверхности. Эти клетки распознают свои мишени посредством связывания с антигеном, связанным с МНС класса I, присутствующим на поверхности всех ядродержащих клеток. С помощью ИЛ-10, аденозина и других молекул, секретируемых регуляторными Т-клетками, CD8+ клетки могут инактивироваться до анергического состояния, что предотвращает аутоиммунные заболевания, такие как экспериментальный аутоиммунный энцефаломиелит.

Т-клетки памяти представляют собой субпопуляцию антиген-специфических Т-клеток, персистирующих в течение длительного времени после разрешения инфекции. Они быстро проходят экспансию до больших количеств эффекторных Т-клеток после повторного воздействия когнатного антигена, таким образом, снабжая иммунную систему "памятью" в отношении последних инфекции. Т-клетки памяти включают три субпопуляции: Т-клетки центральной памяти (ТСМ-клетки) и два типа эффекторных Т-клеток памяти (ТЕМ-клетки и ТЕМРА-клетки). Клетки памяти могут являться CD4+ или CD8+. Т-клетки памяти, как правило, экспрессируют белок поверхности клетки CD45RO.

Регуляторные Т-клетки (Treg-клетки), ранее известные как супрессорные Т-клетки, являются ключевыми для поддержания иммунологической толерантности. Их основной ролью является выключение Т-клеточного иммунитета для окончания иммунной реакции и супрессия аутореактивных Т-клеток, избежавших отрицательной селекции в тимусе.

Описано два основных класса CD4+ Treg-клеток - природные Treg-клетки и адаптивные Treg-клетки.

Природные Treg-клетки (также известные как CD4+CD25+FoxP3+ Treg-клетки) возникают в тимусе и связаны с взаимодействиями между развивающимися Т-клетками с миелоидными (CD11c+) и плазмацитоидными (CD123+) дендритными клетками, активированными TSLP. Природные Treg-клетки можно отличать от других Т-клеток по наличию внутриклеточной молекулы под названием FoxP3. Мутации гена FOXP3 могут предотвращать развитие регуляторных Т-клеток, вызывая фатальное аутоиммунное заболевание IPEX.

Адаптивные Treg-клетки (также известные как Tr1-клетки или Th3-клетки) могут возникать в течение нормального иммунного ответа.

Естественные киллеры (или NK-клетки) являются типом цитолитических клеток, образующих часть врожденной иммунной системы. NK-клетки обеспечивают быстрые ответы на врожденные сигналы от инфицированных вирусом клеток МНС-независимым образом.

NK-клетки (принадлежащие к группе врожденных лимфоидных клеток) определяют как большие гранулярные лимфоциты (LGL), и они составляют третий тип клеток, дифференцирующихся из общего лимфоидного предшественника с образованием В- и

Т-лимфоцитов. Известно, что НК-клетки дифференцируются и созревают в костном мозгу, лимфоузлах, селезенке, миндалинах и тимусе, откуда они затем могут попадать в кровотоки.

Клетки по изобретению могут относиться к любому из упомянутых выше типов клеток.

Т- или НК-клетки, экспрессирующие молекулы по изобретению, можно получать *ex vivo* из собственной периферической крови пациента (1-ая партия), или в условиях трансплантации гемопоэтических стволовых клеток из периферической крови донора (2-ая партия), или периферической крови несвязанного донора (3-я партия).

Альтернативно, Т- или НК-клетки, экспрессирующие молекулы по изобретению, можно получать при дифференцировке *ex vivo* индуцибельных клеток-предшественников или эмбриональных клеток-предшественников в Т-клетки. Альтернативно, можно использовать линию immortalized Т-клеток, сохраняющих свою литическую функцию и способных действовать в качестве терапевтического средства.

Во всех этих вариантах осуществления клетки получают посредством встраивания ДНК или РНК, кодирующей рецепторный компонент и сигнальный компонент, одним из множества способов, включая трансдукцию с использованием вирусного вектора, трансфекцию с использованием ДНК или РНК.

Клетка по изобретению может являться Т- или НК-клеткой *ex vivo* из индивидуума. Т- или НК-клетку можно получать из образца мононуклеарных клеток периферической крови (PBMC). Т- или НК-клетки можно активировать и/или подвергать экспансии перед трансдукцией с использованием нуклеиновой кислоты по изобретению, например, посредством обработки моноклональным антителом против CD3.

Т- или НК-клетку по изобретению можно получать посредством:

- (i) выделения образца, содержащего Т- или НК-клетку из индивидуума или других указанных выше источников; и
- (ii) трансдукции или трансфекции Т- или НК-клеток с использованием одной более последовательностей нуклеиновой кислоты по изобретению.

Затем Т- или НК-клетки можно очищать, например, выбирать с учетом экспрессии антигенсвязывающего домена антигенсвязывающего полипептида.

Настоящее изобретение также относится к клетке, содержащей слитый белок или укороченный белок по изобретению и химерный антигенный рецептор (CAR).

Химерный антигенный рецептор (CAR) может являться активирующим CAR, содержащим ITAM-содержащий эндодомен, такой как CD3 дзета. CAR может являться ингибиторным CAR, содержащим эндодомен "без лигирования", как описано в WO2015/075469, который может содержать весь или часть эндодомена из рецептор-подобной тирозинфосфатазы, такой как CD148 или CD45. CAR может являться ингибиторным CAR, содержащим эндодомен "с лигированием", как описано в WO2015/075470, который может содержать домен ITIM.

Слитые белки и укороченные белки по изобретению можно использовать вместе с клеткой, экспрессирующей комбинацию "логических элементов" из двух или более CAR. Логический элемент "ИЛИ" содержит два активирующих CAR, как описано в WO2015/075468. Логический элемент "И" содержит активирующий CAR и ингибиторный CAR "без лигирования", как описано в WO2015/075469. Элемент "И НЕТ" содержит активирующий CAR и ингибиторный CAR "с лигированием", как описано в WO2015/075470.

Таким образом, настоящее изобретение относится к клетке, содержащей:

- (i) последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую укороченный белок или

слитый белок по изобретению;

(ii) первый химерный антигенный рецептор (CAR); и

(iii) второй химерный антигенный рецептор.

5 Что касается аспект транскрипционного сигнала по изобретению, настоящее изобретение относится к клетке, содержащей (i) слитый белок, содержащий домен SH2 и протеазу; и (ii) мембраносвязанный фактор транскрипции, содержащий: мембранную связь, участок распознавания протеазой и фактор транскрипции.

10 Что касается аспекта стерилизующего сигнала по изобретению, настоящее изобретение относится к клетке, содержащей (i) слитый белок, содержащий домен SH2 и протеазу; и (ii) рецептор, содержащий участок расщепления протеазой.

Рецептор может являться, например, Т-клеточным рецептором (TCR) или химерным антигенным рецептором (CAR), содержащим: (i) участок расщепления протеазой между трансмембранным доменом и активирующим эндодоменом; или (ii) активирующий эндодомен, слитый с ингибиторным эндодоменом через участок расщепления протеазой.

## 15 КОМПОЗИЦИЯ

Настоящее изобретение также относится к фармацевтической композиции, содержащей множество клеток по изобретению. Фармацевтическая композиция может дополнительно содержать фармацевтически приемлемый носитель, дилуент или эксципиент. Фармацевтическая композиция, необязательно, может содержать один 20 более дополнительных фармацевтически активных полипептидов и/или соединений. Такой состав может находиться, например, в форме, подходящей для внутривенной инфузии.

## СПОСОБ ЛЕЧЕНИЯ

25 Клетки по настоящему изобретению могут быть способны уничтожать клетки-мишени, такие как злокачественные клетки.

Клетки по настоящему изобретению можно использовать для лечения инфекции, такой как вирусная инфекция.

30 Клетки по изобретению также можно использовать для контроля патогенных иммунных ответов, например, при аутоиммунных заболеваниях, аллергиях и реакции "трансплантат против хозяина".

Клетки по изобретению можно использовать для лечения злокачественного заболевания, такого как рак мочевого пузыря, рак молочной железы, рак толстого кишечника, рак эндометрия, рак почки (почечноклеточный), лейкоз, рак легких, меланома, неходжкинская лимфома, рак поджелудочной железы, рак предстательной 35 железы и рак щитовидной железы.

Клетки по изобретению можно использовать для лечения: злокачественных новообразований полости рта и глотки, включающих рак языка, рта и глотки; злокачественных новообразований пищеварительной системы, включающих рак пищевода, рак желудка и колоректальный рак; злокачественных новообразований 40 печени и желчных протоков, включающих печеночноклеточные карциномы и холангиокарциномы; злокачественных новообразований дыхательной системы, включающие бронхогенные злокачественные новообразования и злокачественные новообразования гортани; злокачественных новообразований костей и суставов, включающих остеосаркому; злокачественных новообразований кожи, включающих меланому; рак молочной железы; злокачественных новообразований половой системы, 45 включающих рак матки, яичников и шейки матки у женщин, рак предстательной железы и яичка у мужчин; злокачественных новообразований выделительной системы, включающих почечноклеточную карциному и переходноклеточные карциномы



мочеточника или мочевого пузыря; злокачественных новообразований головного мозга, включая глиомы, мультиформную глиобластому и медуллобластомы; злокачественных новообразований эндокринной системы, включая рак щитовидной железы, аденокарциному и злокачественные новообразования, ассоциированные с синдромами множественных эндокринных неоплазий; лимфом, включая лимфому Ходжкина и неходжкинскую лимфому; множественной миеломы и плазмочитом; лейкозов, острых и хронических, миелоидных или лимфоидных; и злокачественных новообразований других и неуказанных мест, включая нейробластому.

Лечение клетками по изобретению может способствовать профилактике избегания или высвобождения опухолевых клеток, часто возникающих при использовании стандартных подходов.

Изобретение далее будет дополнительно описано с помощью примеров, которые должны помочь специалисту в этой области в осуществлении изобретения, но не предназначены для какого-либо ограничения объема изобретения.

## ПРИМЕРЫ

### Пример 1 - Подчинение пути активации Т-клеток повышенным или нефизиологическим сигналам

Ряд доменов SH2, участвующих в ранней активации Т-клеточного сигнала тестировали для определения того, могут ли сигналы активации Т-клеток подчиняться или "быть захваченными", таким образом, что когда Т-клетка активирована, сигнал можно модулировать или повторно передавать.

Авторы настоящего изобретения получали несколько химерных конструкций АКТ, соединяя киназный домен АКТ с доменами SH2 из Zap70, Grap, Grb2 и PLCγ (фигура 8).

В нетрансдуцированных (NT) Т-клетках определяют очень низкие уровни фосфорилирования эндогенного АКТ после обработки ОКТ3 для индукции перекрестной сшивки и активации TCR (фигура 10b: верхняя панель). Однако в клетках, экспрессирующих конструкции Zap-АКТ, наблюдали значительные уровни фосфо-АКТ (фигура 10b: нижняя панель).

Линкер для активации Т-клеток (LAT) является нижележащей мишенью ZAP70 и связан несколькими SH2-содержащими белками, такими как Grb2, Grap и PLCγ. Предполагают, что домены SH2 из каждого из этих LAT-связывающих средств также будут делать возможным захват активационного сигнала от CD3 дзета. Однако этого не было.

Не наблюдали TCR-зависимого фосфорилирования киназного домена АКТ выше уровней, наблюдаемых для NT Т-клеток, если киназный домен АКТ соединяли с доменами SH2 из Grb2, Grap или PLCγ (фигура 9a).

Это свидетельствует о том, что для этой системы захвата Т-клеточного сигнала конкретно необходим тандемный домен SH2 из очень ранней Т-клеточной сигнальной молекулы, такой как Zap70 или тирозин-протеинфосфатаза нерецепторного типа 6 (RTPN6).

### Пример 2 - Транскрипционный контроль

Протеазу TeV подвергали слиянию с доменом SH2 Zap70. Мембраносвязанный фактор транскрипции также получали следующим образом: RQR8 клонировали в рамке считывания с фактором транскрипции VP16/GAL4, разделенным участком расщепления TeV. Этот слитый белок делает возможным высвобождение фактора транскрипции VP16/GAL4 (содержащего сигнал ядерной локализации) после расщепления TeV.

Оба этих белка экспрессировались в Т-клетке, которая также экспрессировала CD19-специфический химерный антигенный рецептор. Для демонстрации того, что необходим

подход с использованием ZAP70-TeV, фактор транскрипции коэкспрессировали с CD19 CAR, эндодомен которого заменяли TeV (фигура 11).

Т-клетки подвергали воздействию CD19-отрицательных и положительных мишеней. Активацию транскрипции измеряли с помощью люциферазной кассеты, отвечающей на GALv/VP16. Только условия, в которых стандартный CD19 CAR коэкспрессировали с ZAP-TeV и мембраносвязанным фактором транскрипции, приводили к селективной активации транскрипции после распознавания CD19. CD19 CAR, слитый непосредственно с TeV, вызывал конститутивную активацию транскрипции (фигура 12).

### Пример 3 - Блокада сигнала PD-1 с использованием укороченного SHP-1 (PTPN6) или укороченного SHP-2

Клетки PBMC трансдуцировали, как показано в следующей таблице:

Название на легенде к фигуре 15	Описание	Конструкции
NT	Нетрансдуцированные	-
FMC63	Трансдуцированные только с использованием CD19 CAR	SFG.aCD19_fmc63-HCH2CH3w-CD28tmZw
PD1	Трансдуцированные только с использованием PD1	pDual-PD1-GFP
FMC63+PD1	Котрансдуцированные с использованием CD19 CAR и PD1	SFG.aCD19_fmc63-HCH2CH3w-CD28tmZw и pDual-PD1-GFP
FMC63-SHP1+PD1	Котрансдуцированные с использованием а) бицистронной конструкции, кодирующей CD19 CAR и укороченный SHP1, и б) PD1	SFG.aCD19_fmc63-HCH2CH3w-CD28tm-Zeta_w-2A-dualSH2_SHP-1 и pDual-PD1-GFP
FMC63-SHP2+PD1	Котрансдуцированные с использованием а) бицистронной конструкции, кодирующей CD19 CAR и укороченный SHP1, и б) PD1	SFG.aCD19_fmc63-HCH2CH3w-CD28tm-Zeta_w-2A-dualSH2_SHP-2 и pDual-PD1-GFP

Клетки сокультивировали в течение 48 часов с клетками SupT1, трансдуцированными с использованием CD19, PDL1 или и того, и другого, и измеряли высвобождение ИФН $\gamma$ , измеряемое с помощью ELISA. Результаты представлены на фигуре 15.

Наличие PDL1 на клетках-мишенях SupT1 вызывало снижение высвобождения ИФН $\gamma$ . Наблюдали повышенное высвобождение ИФН $\gamma$  при использовании PBMC, экспрессировавших конструкцию CAR вместе с укороченным SHP-1 или укороченным SHP-2, по сравнению с теми, которые экспрессировали только CAR. Это свидетельствует о том, что конструкции укороченного SHP-1 и SHP-2 успешно ингибировали ингибиторный сигнал PDL1 от клеток-мишеней.

### Пример 4 - Перехват сигнала PD-1 с использованием продукта слияния доменов SH2 SHP-2 и киназы Zap70

Клетки PBMC трансдуцировали, как показано в следующей таблице:

Название на легенде к фигуре 16	Описание	Конструкции
NT	Нетрансдуцированные	-
FMC63	Трансдуцированные только с использованием CD19 CAR	SFG.aCD19_fmc63-HCH2CH3w-CD28tmZw
PD1	Трансдуцированные только с использованием PD1	pDual-PD1-GFP
FMC63+PD1	Котрансдуцированные с использованием CD19 CAR и PD1	SFG.aCD19_fmc63-HCH2CH3w-CD28tmZw и pDual-PD1-GFP
FMC63-SHP2Zap70+PD1	Котрансдуцированные с использованием а) бицистронной конструкции, кодирующей CD19 CAR и продукт слияния доменов SH2 SHP2 и киназы Zap70, и б) PD1	SFG.aCD19_fmc63-HCH2CH3w-CD28tm-Zeta_w-2A-dualSH2_SHP-2-Zap70_Киназа и pDual-PD1-GFP

Клетки сокультивировали в соотношении 1:1 в течение 24 часов с клетками SupT1, трансдуцированными с использованием CD19 или PDL1. Высвобождение ИФН $\gamma$  измеряли с помощью ELISA (фигура 16A). Повышение продукции ИФН $\gamma$  наблюдали в совместных культурах Т-клетках, трансдуцированных с использованием CAR-SHP2.Zap70 +PD1, с

клетками-мишенями PDL1 SupT1 по сравнению с Т-клетками, трансдуцированными с использованием CAR +PD1.

Также осуществляли анализ цитотоксичности, в котором уничтожение клеток SupT1 количественно анализировали с помощью FACS (фигура 16B). Наблюдали почти полное уничтожение мишеней PDL1 SupT1 в совместных культурах PDL1-положительных клеток-мишеней с Т-клетками, трансдуцированными с использованием CAR-SHP2.Zap70+PD1. В отличие от этого, не наблюдали уничтожение при использовании конструкции CAR+PD1 в отдельности. Это свидетельствует о том, что замена фосфатазного домена SHP2 киназным доменом Zap70 успешно преобразует ингибиторный сигнал PD1 в активирующий сигнал. Таким образом, слитый белок SHP-2-киназа Zap70 успешно перехватывал ингибиторный сигнал PDL1-PD1 и преобразовывал его в сигнал активации Т-клеток.

Все публикации, упомянутые в представленном выше описании, включены в настоящее описание в качестве ссылок. Различные модификации и варианты описанных способов и системы по изобретению будут очевидны специалистам в этой области без отклонения от объема и сущность изобретения. Хотя изобретение описано в отношении конкретных предпочтительных вариантов осуществления, следует понимать, что изобретение не должно быть ненадлежаще ограничено такими конкретными вариантами осуществления. Фактически, различные модификации описанных способов осуществления изобретения, очевидные специалистам в молекулярной биологии, клеточной иммунологии или родственных областях, предназначены для включения в объем следующей формулы изобретения.

#### (57) Формула изобретения

1. Цитолитическая иммунная клетка, способная уничтожать клетки-мишени, экспрессирующие антиген-мишень, где указанная иммунная клетка содержит: химерный антигенный рецептор (CAR), который связывает указанный антиген-мишень; и укороченный белок PTPN6 или SHP-2, который содержит один или оба домена SH2, но в котором отсутствует фосфатазный домен.
2. Конструкция нуклеиновой кислоты для получения клетки по п.1, содержащая: первую последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую химерный антигенный рецептор, который связывает указанный антиген-мишень; и вторую последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую укороченный белок PTPN6 или SHP-2, который содержит один или оба домена SH2, но в котором отсутствует фосфатазный домен.
3. Вектор для получения клетки по п.1, содержащий конструкцию нуклеиновой кислоты по п.2.
4. Вектор по п.3, который представляет собой ретровирусный или лентивирусный вектор.
5. Набор векторов для получения клетки по п.1, содержащий первый вектор, который содержит первую последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую химерный антигенный рецептор; и второй вектор, который содержит вторую последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую укороченный белок PTPN6 или SHP-2, который содержит один или оба домена SH2, но в котором отсутствует фосфатазный домен.
6. Набор векторов по п.5, в котором указанные первый и второй векторы представляют собой ретровирусные или лентивирусные векторы.
7. Фармацевтическая композиция для лечения злокачественного новообразования, содержащая множество клеток по п.1, которые содержат CAR, связывающий антиген-

мишень, который экспрессирует клетка злокачественного новообразования, и фармацевтически приемлемый носитель, дилуэнт или эксципиент.

8. Способ лечения злокачественного новообразования, включающий стадию введения индивидууму фармацевтической композиции по п.7.

5 9. Способ лечения злокачественного новообразования, включающий следующие стадии:

(i) отбор образца, содержащего цитолитическую иммунную клетку, у индивидуума;

(ii) трансдукцию или трансфекцию указанных иммунных клеток с использованием конструкции нуклеиновой кислоты по п.2, вектора по п.3 или 4 или набора векторов  
10 по п.5 или 6, где указанный антиген-мишень представляет собой антиген, который экспрессирует клетка злокачественного новообразования; и

(iii) введение указанному индивидууму иммунных клеток из (ii).

10. Применение фармацевтической композиции по п.7 в производстве лекарственного средства для лечения злокачественного новообразования.

15 11. Способ получения клетки по п.1, включающий стадию введения конструкции нуклеиновой кислоты по п.2, вектора по п.3 или 4 или набора векторов по п.5 или 6 в указанную клетку.

12. Способ по п.11, согласно которому указанная клетка получена из образца, выделенного из индивидуума.

20

25

30

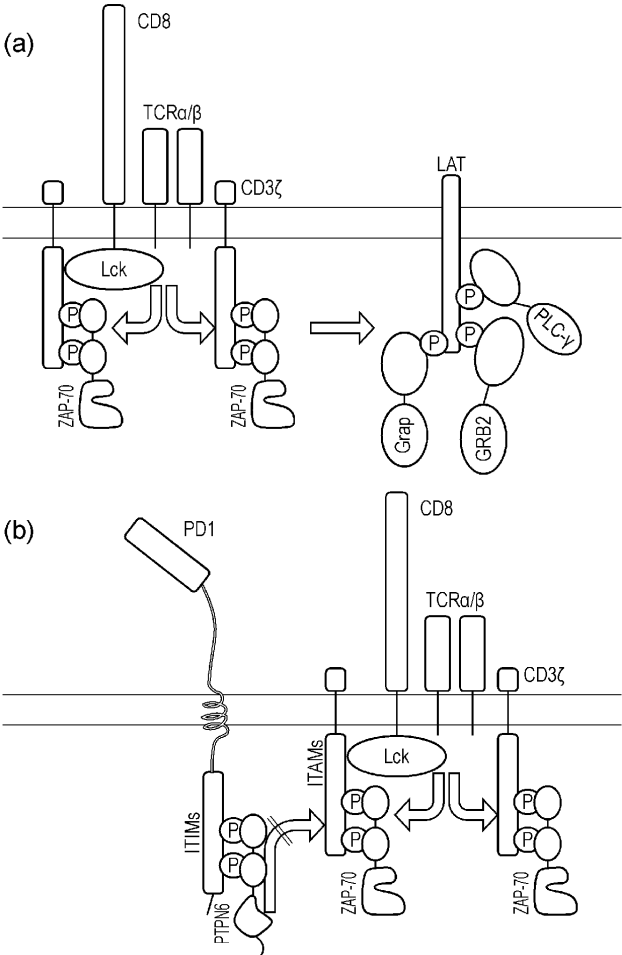
35

40

45

1

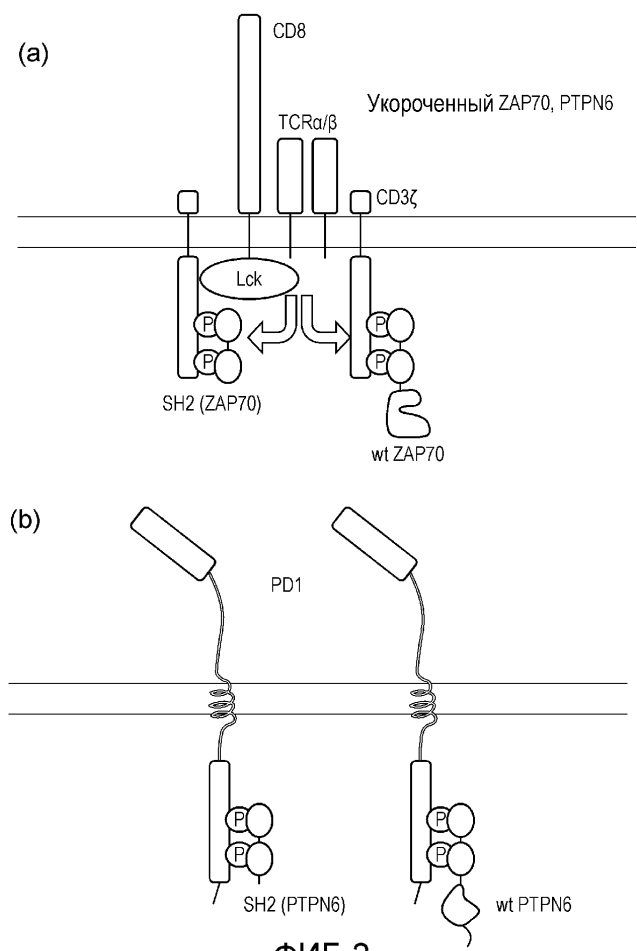
1/23



ФИГ. 1

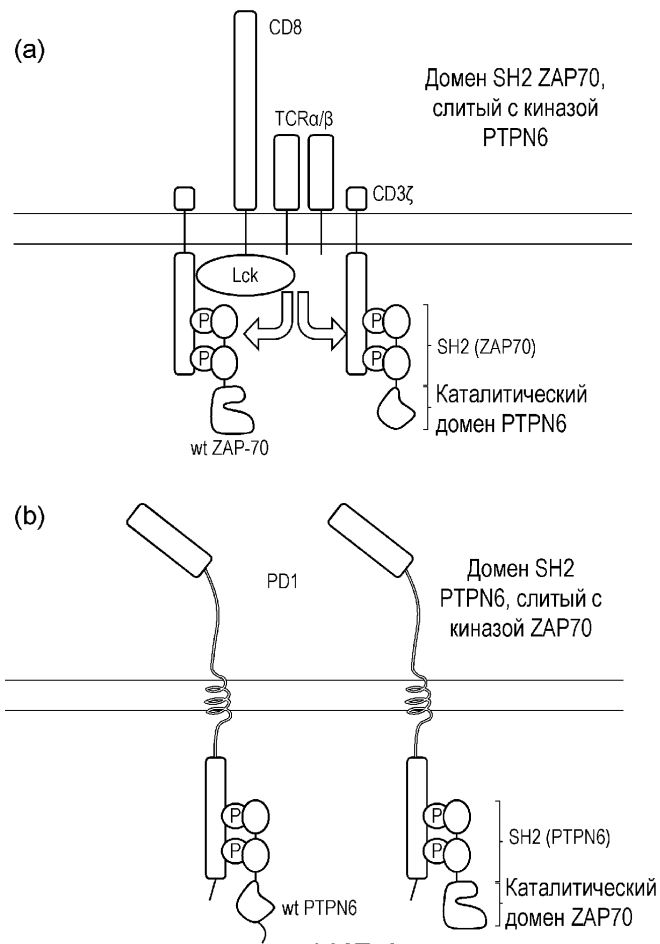
2

2/23



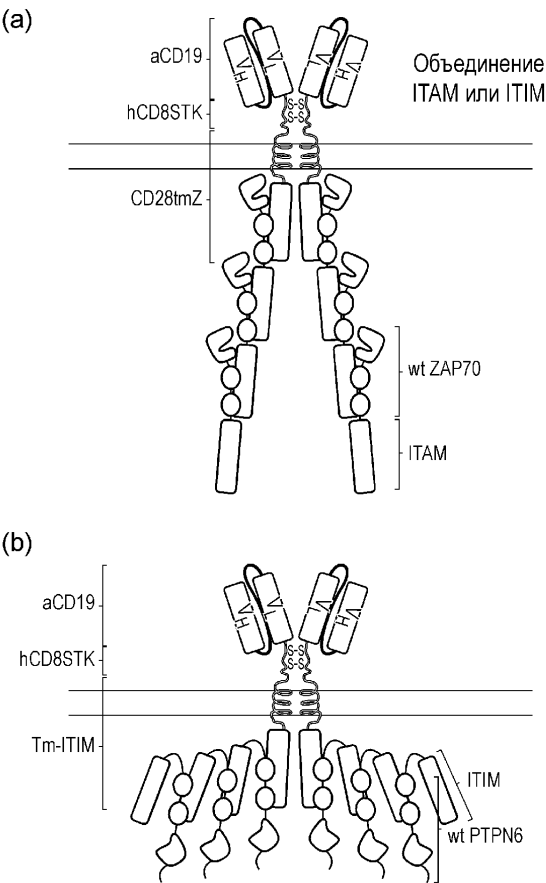
ФИГ. 2

3/23



ФИГ. 3

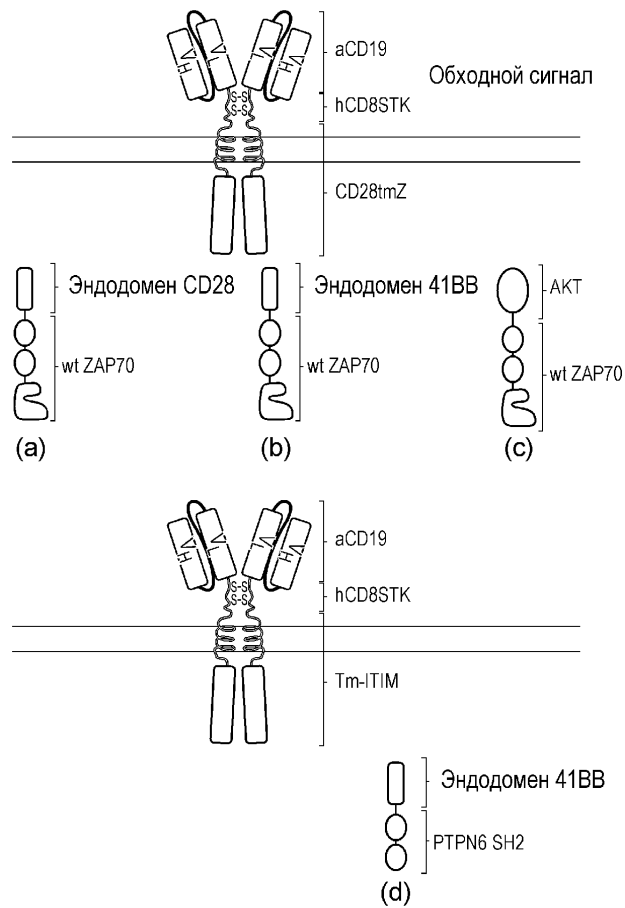
4/23



ФИГ. 4

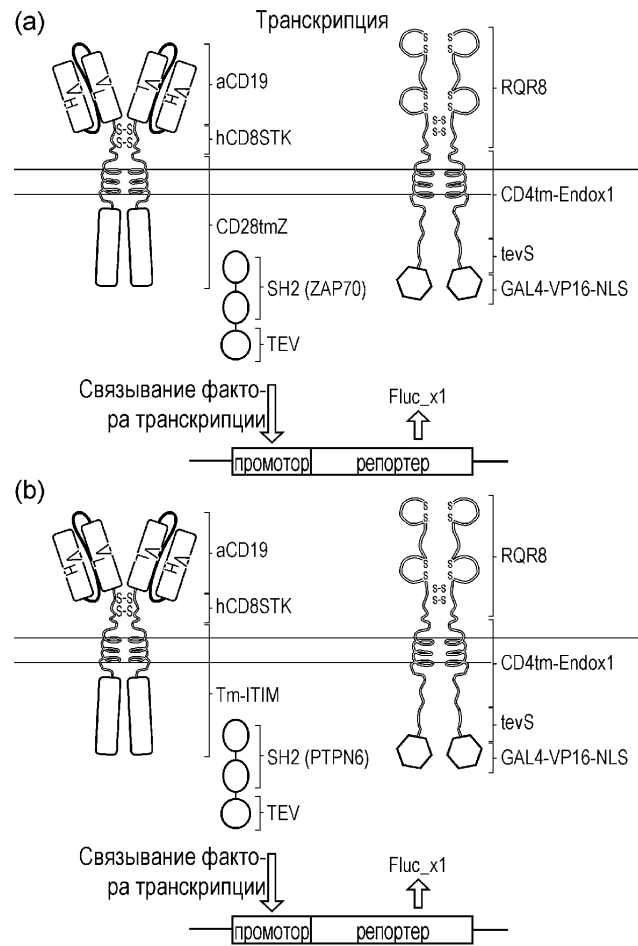


5/23



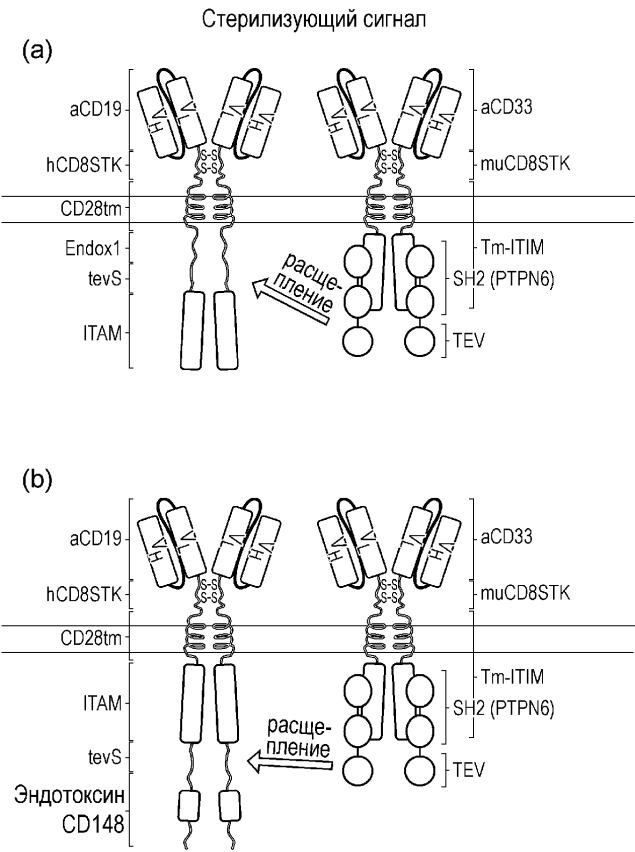
ФИГ. 5

6/23



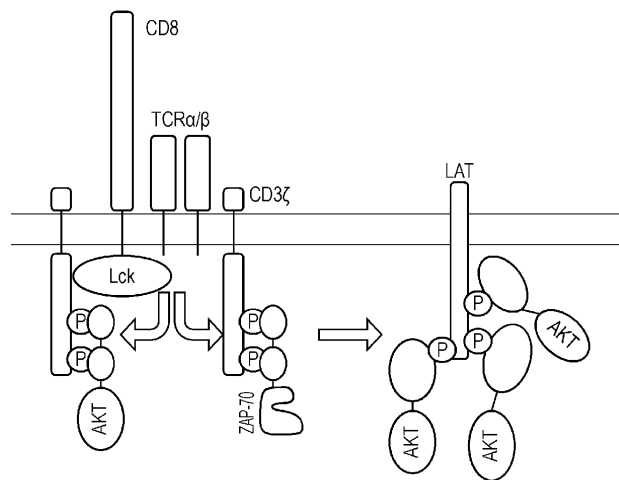
ФИГ. 6

7/23



ФИГ. 7

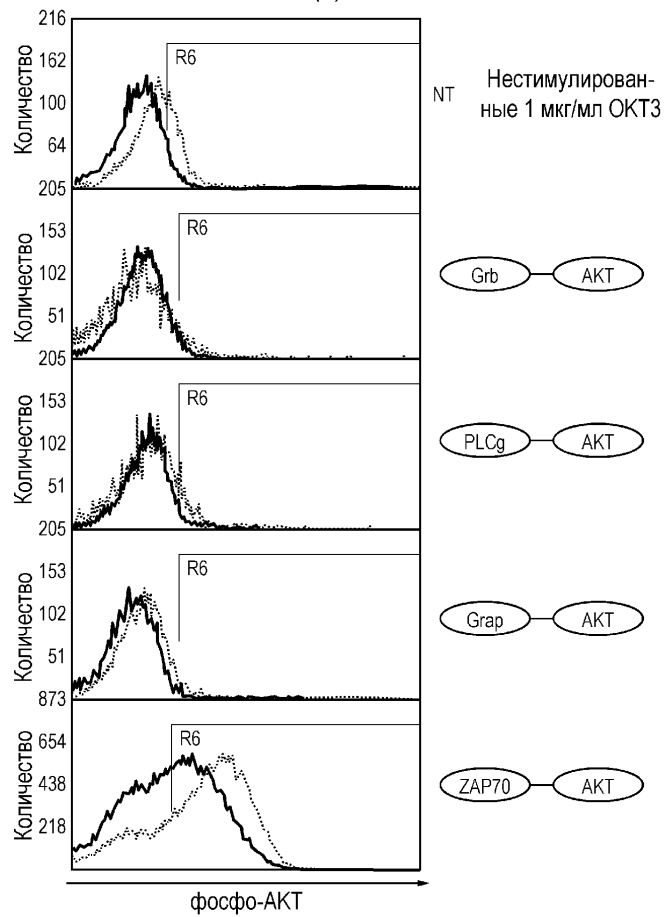
8/23



ФИГ. 8

9/23

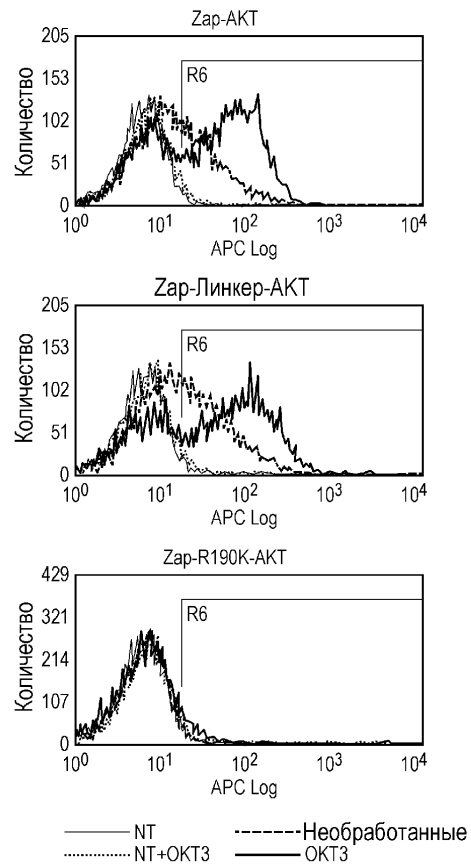
(a)



ФИГ. 9

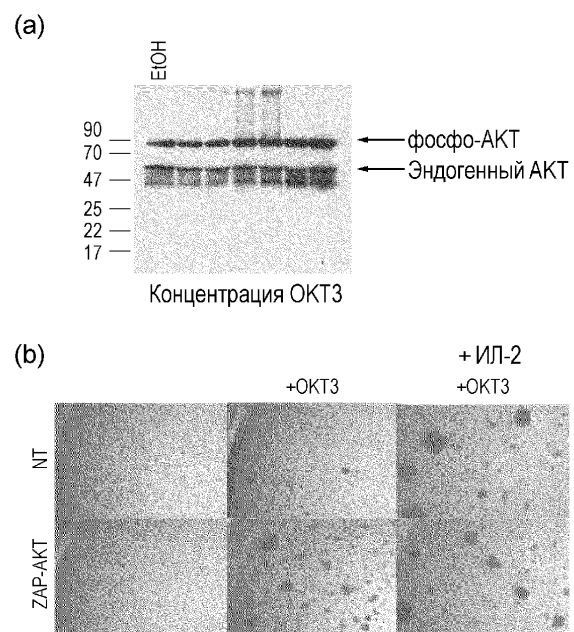
10/23

(b)



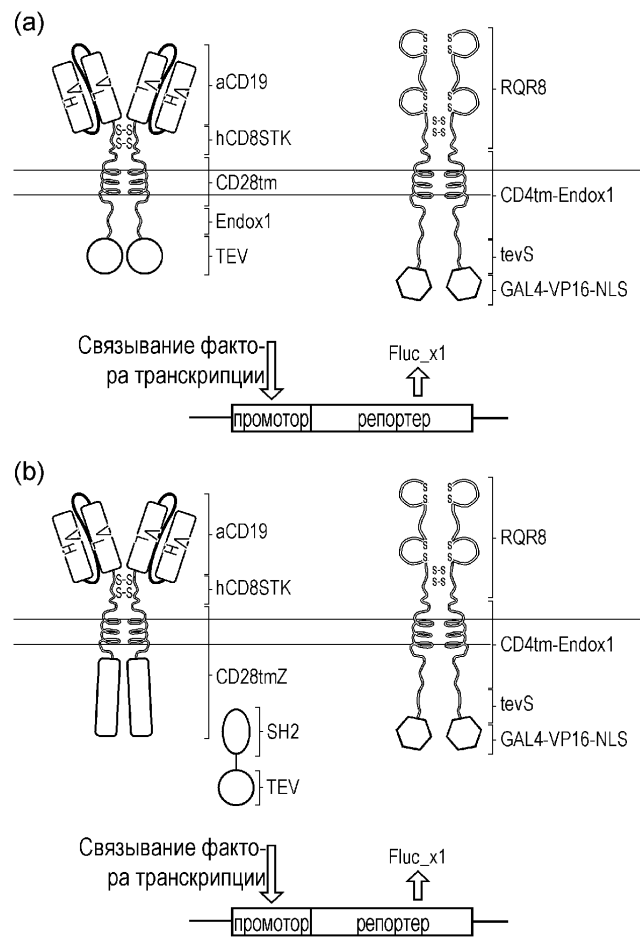
ФИГ. 9 (Продолжение)

11/23



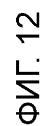
ФИГ. 10

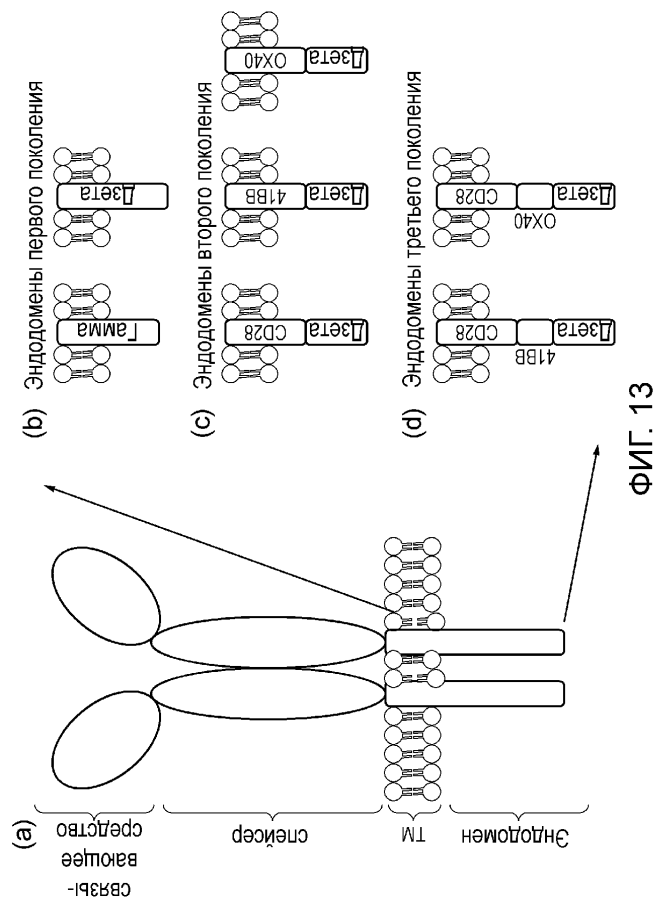
12/23



ФИГ. 11







15/23

>dZAP\_SH2 (SEQ ID No. 2)

MPDPA AHL PFFYGSISR AEAEEHLKLAGMADGLFLRQCLRS LGGYVLSLVHDVRFHHPPIERQLNGTYA  
AGGKAHCGPAELCEFYSRDPDGLPCNLKPCNRP SGLEFPQGVDFCLRDAMVRDYVRQTWKLGEALB  
QAIISQAPQVEKLIATTAHERMPWYHSSLTREAERKLYSGAQT DGKFLRPRKEQGT YALSLYKTVYHY  
LSQDKAGKYCIP EGTKFDTLWQVLEYLKLKADGLIYCLKEACPNSSASNASGAAAPTLP AHPSTLTHP

MPD - Домен SH2 ZAP70

>dPTPN6\_SH2 (SEQ ID No. 6)

MVRWFHRDLSGLDAETLLKGRGVHGSFLARPSRKNQGD FLSVRVGDOVTHIRIQNSGDFYDLYGGEKF  
ATLTELVEYYTQQQGVLDQDRDGTIIHLKYPLNCSDPTSERWYHGHMSGGQAETLLOAKGEPWTFVLR ES  
LSQPGDFVLSVSDQPKAGPGSPLRVTHIKVMCEGGRYTVGGLET FDSLTDLVEHFKKTGIEEASGAFVY  
RQPY:

MVR - Домен SH2 PTPN6

>ZAP\_SH2-PTPN6 (SEQ ID No. 30)

MPDPA AHL PFFYGSISR AEAEEHLKLAGMADGLFLRQCLRS LGGYVLSLVHDVRFHHPPIERQLNGTYA  
AGGKAHCGPAELCEFYSRDPDGLPCNLKPCNRP SGLEFPQGVDFCLRDAMVRDYVRQTWKLGEALB  
QAIISQAPQVEKLIATTAHERMPWYHSSLTREAERKLYSGAQT DGKFLRPRKEQGT YALSLYKTVYHY  
LSQDKAGKYCIP EGTKFDTLWQVLEYLKLKADGLIYCLKEACPNSSASNASGAAAPTLP AHPSTLTHP  
GGSGGGSGGGSGGGSGGFWEEFESLQKQEVKNLHQRELGQRPENKGNRYKNILPFDHSRVILQGRD  
SNIPGSDYINANYIKNQLLGP DENAKTYIASQGCLEATVNDFWQMAWQENSRVIVMTTREV EKGGRNKD  
VPYWPVEVGMQRAYGPYSVTNCGEHDTEYKLR TLQVSPLDNGDLREIWHYQYLSWPDHGV PSEPGGV  
LSFLDQINQROESLPHAGPIVHCSAGIGRTGTIIVIDL MENISTKGLDCDIDIQTIQM VRAQRSGMVQ  
TEAQYKFIYVAIAQFIETTKK

MPD - Домен SH2 ZAP70

SGG - Линкер

FEW - Киназа PTPN6

>PTPN6\_SH2-ZAP (SEQ ID No. 29)

MVRWFHRDLSGLDAETLLKGRGVHGSFLARPSRKNQGD FLSVRVGDOVTHIRIQNSGDFYDLYGGEKF  
ATLTELVEYYTQQQGVLDQDRDGTIIHLKYPLNCSDPTSERWYHGHMSGGQAETLLOAKGEPWTFVLR ES  
LSQPGDFVLSVSDQPKAGPGSPLRVTHIKVMCEGGRYTVGGLET FDSLTDLVEHFKKTGIEEASGAFVY  
RQPYSGGGSGDPEELDKKFLKRDNLLIADIELGCGNFGSVRQGVYRMRKQIDVAIKVLKQGT EKA  
TEENMREAQIMHOLDNPYIVRLGVCOAEALMVEMAGGGPIHKFLVGKREEIPVSNVAELLHQV  
MGMKYLEEKNFVHRDLAARNVLLVNRHYAKISDFGLSKALGADDSYITARSAGKWPLKWYAP ECFNFRK  
FSSRSDVWVSYGVTMW EALSYGQKPYKMKGPEVMAFIEQGRMECPPECPELYALMSDCWIYKWED  
RPDFLTV EQRMIRACYSLASKVEGPPGSTQKAEACA

MVR - Домен SH2 PTPN6

SGG - Линкер

ФИГ. 14

16/23

**Фиг. 14** – Киназа ZAP70

&gt;ZETA-ZAP (SEQ ID No. 14)

MRRVVFSSADAPAYQQGQNLQYLNELNGRREYDVLDKRRGRDPEMGGKPRRKNPQEGLYNELQKQ  
 KMAEAYSEIGMKGERRRGKGDGLYQGLSTATKDTYDALHMQALPPRSGGGSGGGSGGGSGGGSGGG  
 GSMPPDPAHLPPFFYGSISRAEAEHLKLAGMADGLFLRQCLRSLGGYVLSLVHDVRFHHFPIERQLNGTY  
 AJAGGKAHCGPAELCEFYSRDPDGLPCNLRKPCNRPSGLEPQPGVFDCLRDAMVRDYVRQTVWKLGEAL  
 EQAIIQAPQVEKLIATTAHERMPWYHSSLTREEAERKLYSGAQTGKFLRPRKEQGTIALSLYGKTVYH  
 YLISQDKAGKYCIPEGTKFDTLWQLVEYLKADGLIYCLKEACPNSSASNASGAAAPTLPAPSTLTHPQR  
 RIDTLNSDGYTPEPARITSPDKPRMPMDTSVYESPSYSDPEELKDKFLKRDNLIADELGCNFGSVRQ  
 GVVYMRKKQIDVAIKVLKQGTAKADEEMMREAQIMHOLDNPYIVRLIGVCOAEALMLVMEMAGGGP  
 LHKFLVGKREEIPVSNVAELLHQVSMGMKYLEKNFVHRDLAARNVLLVNRHYAKISDFGLSKALGADDS  
 YYTARSAGKWPLKYWYAPECFNFRKFSRSSDVWSYGVMTWEALSYGQPKYKMKGPVMAFIEQGKRME  
 ECPPECPPELYALMSDCWIKWEDRPDLTVEQRM RACYSLASKVEGPGSGTQKAEACA

**Фиг. 15** – Эндодомен CD3 дзета

SGG - Линкер

**Фиг. 16** – полноразмерный ZAP70

&gt; PD1\_endo-PTPN6 (SEQ ID No. 25)

MTGQPLKEDPSAVPVFSVDYGEIDFQWREKTPPEPPVPCVPEQTEYATVFPSGMTSSPARRGSAAGPR  
 SAQPLRPEDGHCWPLSGGGSGGGSGGGSGGGSGGGSMVRWFHRDLSGLDAETLLKGRGVHGSFLA  
 KPSRKNQGDLSLVYVGDQVTHIRIONSGDFYDLYGGEKFAITLVELVEYITQQQVLODRDGTIHLKYP  
 NCSDPTSERWYHGHMSGGAETLLQAKGEPWTLVRESLSQPGDFVLSVSDQPKAGPGSPLRVTHIKV  
 MCEGGRYTVGLETDFSLTDLVEHFKKTGIEEASGAFVYLROPYATRVNAADIEHNRVLELNKKQESDFA  
 KAGFWEEFESLQKQEVKNLHQRLGQRPENKGNRYKNILPFDHSRVILQGRDSNIPGSDYINANYKNQ  
 LLGPDENAKTYIASQGCLATVNDFWQMAWQENSRIIVMTTREVKGGRNKCVPYWPVEVGMQRAYGP  
 YSVTNCGEHDTTEYKLRTLQVSPLDNGDLIREIWHYQVLSWPDHGVPSPEPGVLSFLDOINQROESLPHA  
 GPIIVHCSAGIGRTGTIIVDMMLMENISTKGLDCDIDQKIQMVRQQRSGMVQTEAQYKFIYVIAQFIETI  
 KKKLEVLOSQKQGESEYGNITYPPAMKNAHAKASRTSSKHEDVYENLHTKNKREEKVKQRSADKEKSK  
 GSLKRRK

**Фиг. 17** – Эндодомен PD1

SGG - Линкер

**Фиг. 18** – полноразмерный PTPN6

&gt;CD28-ZAP (SEQ ID No. 40)

MRSKRSRLHSDYMNMTPRRPGTRKHYPYAPPRDFAAYRSGGGSGGGSGGGSGGGSGGGSGMPD  
 PAAILPPFFYGSISRAEAEHLKLAGMADGLFLRQCLRSLGGYVLSLVHDVRFHHFPIERQLNGTYAJAGG  
 KAHCGPAELCEFYSRDPDGLPCNLRKPCNRPSGLEPQPGVFDCLRDAMVRDYVRQTVWKLGEALEQAII  
 QAPQVEKLIATTAHERMPWYHSSLTREEAERKLYSGAQTGKFLRPRKEQGTIALSLYGKTVYHYLISQ  
 DKAGKYCIPEGTKFDTLWQLVEYLKADGLIYCLKEACPNSSASNASGAAAPTLPAPSTLTHPQRRIIDL  
 NSDGYTPEPARITSPDKPRMPMDTSVYESPSYSDPEELKDKFLKRDNLIADELGCNFGSVRQGVYR  
 MRKKQIDVAIKVLKQGTAKADEEMMREAQIMHOLDNPYIVRLIGVCOAEALMLVMEMAGGGPLHKF  
 LVGKREEIPVSNVAELLHQVSMGMKYLEKNFVHRDLAARNVLLVNRHYAKISDFGLSKALGADDSYTTA

ФИГ. 14(Продолжение)

17/23

RSAGKWPWKWYAPECINFRKFSSRSVDVWSYGVTMWEALSYGQKPYKKMKGPVMAFIEQGKRMCECP  
 ECPPELYALMSDCWYKWE DRPDLTVEQRM RACYSLASKVEGPPGSTQKAEAAAC

MRG - Эндодомен CD28

SGG - Линкер

MPD - полноразмерный ZAP70

>41BB-ZAP (SEQ ID No. 41)

MKRGRKKLLYIFKQPFMRPVQTTQFEDGCSCRFPEEEEGGCEFGGGGSGGGGSGGGGSGGGGSGMPD  
 PAAHLFFYGSISRAEAEHLKLAGMADGLFLRQCLRSLGGYVLSLVHDFRHHFPIERQLNGTYAIAGG  
 KAHCGPAELCEFYSRDPDGLPCNLRKPCNRPSPGLEPQGVDFCLRDAMVRDYVRQTWKLEGEALQAIIS  
 QAPQVEKLIATTAHERMPWYHSSLTREEAERKLYSGAQTGKFLLRPRKEQGTALSLYIGKTVYHYLISQ  
 DKAGKYCIEPTKFDTLWQVLEYLKLKADGLIYCLKEACPNSSASNAGAAAPTLPAPSTLTHPQRRIDTL  
 NSDGYTPPARITSPDKPRMPMDTSVYESPYSDPEELDKKFLKRDNLIIADIELGCGNFGSVRQGVYR  
 MRKKQIDVAIKVLKQTEKADTEEMMREAOIMHQLDNPYIVRLIGVQAEALMLVMEAGGGPLHKF  
 LVGKREEIPVSNVAELLHQVSMGMKYLEKNFVHRDLAARNVLLVNRHYAKISDFGLSKALGADDSYTTA  
 RSAGKWPWKWYAPECINFRKFSSRSVDVWSYGVTMWEALSYGQKPYKKMKGPVMAFIEQGKRMCECP  
 ECPPELYALMSDCWYKWE DRPDLTVEQRM RACYSLASKVEGPPGSTQKAEAAAC

MRG - Эндодомен 41BB

SGG - Линкер

MPD - полноразмерный ZAP70

>OX40-ZAP (SEQ ID No. 42)

MIRDQRLPPDAHKKPPGGGSRFTPIQEEQADAHSTLAKSGGGGSGGGGSGGGGSGGGGSGMPDPAHL  
 FFYGSISRAEAEHLKLAGMADGLFLRQCLRSLGGYVLSLVHDFRHHFPIERQLNGTYAIAGGKAHCGR  
 AELCEFYSRDPDGLPCNLRKPCNRPSPGLEPQGVDFCLRDAMVRDYVRQTWKLEGEALQAIISQAPQV  
 EKLIIATTAHERMPWYHSSLTREEAERKLYSGAQTGKFLLRPRKEQGTALSLYIGKTVYHYLISQDKAGKY  
 CIEPTKFDTLWQVLEYLKLKADGLIYCLKEACPNSSASNAGAAAPTLPAPSTLTHPQRRIDTLNSDGYT  
 PPARITSPDKPRMPMDTSVYESPYSDPEELDKKFLKRDNLIIADIELGCGNFGSVRQGVYRMRKKQ  
 DVAIKVLKQTEKADTEEMMREAOIMHQLDNPYIVRLIGVQAEALMLVMEAGGGPLHKFLVGKRE  
 EIPVSNVAELLHQVSMGMKYLEKNFVHRDLAARNVLLVNRHYAKISDFGLSKALGADDSYTTARSAGK  
 WPLKWPYAPECINFRKFSSRSVDVWSYGVTMWEALSYGQKPYKKMKGPVMAFIEQGKRMCECPPECPPE  
 LYALMSDCWYKWE DRPDLTVEQRM RACYSLASKVEGPPGSTQKAEAAAC

MRG - Эндодомен OX40

SGG - Линкер

MPD - полноразмерный ZAP70

>CD28-PTPN6\_SH2 (SEQ ID No. 43)

MRSKRSLRLHSDYMNMTPRRPGPTRKHYPYAPPRDFAAYRSSGGGSGGGGSGGGGSGGGGSGMPD  
 WVFHRDLGDLDAETLLKRGVHGSLARP SRKNQGFSLSVRVGDQVTHIRIQNSGDFDYLYGGEKATLT  
 ELVEYYTQQQGVLODRDGTIIHLKYLNCSDPTSERWYHGHMSGGQAFETLQAKGEPWTFLVRESLSQ  
 GDFVLVLSLDQPKAGPGSPLRVTHIKVMCEGGRYTVGGLETFDSLTDLVEHFKTGIEEASGAFVYLRQPY

ФИГ. 14(Продолжение)

>41BB-PTNP6\_SH2 (SEQ ID No. 44)

MKRGRKLLYIFKQFPMRPVQTTOEEDGSCSRPFEEFEGGCLESGGGSGGGSGGGSGGGSGMVR  
MFRHRLSGLDAETLLKGRGVHGSFLAPRSKNGQDFSLSVRGDQVTHRIQNSGDFYLVYGEKFAATLL  
LVEVYITQQGVLQDPSRDIHLLKPLNCSDPISERWYHGHMSGGQAEI LQAKGEPTWFLVRESLQSP  
GDFVLSLSDPQAGPGRFSLVTHVKVMCEGGRYTVGGLETFDSLTLVEHFKKTGEIAGSAGFVLRQPY

>OX40-PTNP6\_SH2 (SEQ ID No. 45)

MRDQRIPDDAHKPPGGGSGFRTPQIEEQADAHSTLAKSGGGGSGGGGSGGGGSGGGGSMVVRVHFRR  
SGLDALTLLKRGVHGSLFARPSRKNGQDFSLVSRVGDQVTHIRIONSGDFYDLYGGEKFTLTVELVEYV  
IQOQGLVQDRDGTHTIKYPLNCSPTSRWYGHHSVGGGAETLQAQKEPTVTVRESSLQPGDFVLI  
SVLDQQKGGGSPRLRVTHKVMCEGGRYTVGLETFDSLDLVEHFKEETGEEASGAFVYLRQPY

>ZAP\_SH2\_AKT (SEQ ID No. 47)

MPDPAAHLPFFYSGISRAAEHLKAGMADGLFRLQCLSLGGVYLVDVRFHFHPIERQLNGTYAE  
AGGKAHGCAEALFCEYRDPDGLPCNLKPCNPSSGLFQPGVPGDCLDRAMVDYRVQTKWLEGAEE  
QAIHQAPQVQEKLIATTAHERMPWYHSSLTREEAEKRLYSGAOTDGFGLRPKKEGTYALSIVGKTVVHY  
LISQDKAGKYCIPEGTKDFTLWQLVEYLKADGLNYLKEACPNSASNASGAAPATPAHPSTLTIPAEF  
MEVSLKALPHRYTMINEFELVYKGTGVLVEKATGRYAMKLLKEVIVAKDEVAHTLTNRVLN  
SRHPLFTKYSYFQTDRLCIFVEKLGANGGLFFHSIRSEVFSRDAIRYGAIVSALDYLHSEKNVYRDLK  
LGNLMDKDGKHITDGLCKEGLKDAGTMKTCFTEPYLAEVLVDNDYGRVADWVGVMVMEYM  
CENRPFYNDDHEKLEFILMEEIFRPTLGEAKSLGLKDKPKQRLGGGSDAEKMQHRFFAGVWQ  
HIVYKLSPPFKPQVSTEDTRYFDEEFTAAITTPDQDSDMECVDSERRPHFPQFSYASGTAI

>ZAP\_SH2-L-AKT (SEQ ID NO. 48)

ЛПТИЙ чѐрѐз синѐре

MPDPAAPHPPFFSGSIAEEAHLKAGMADGLRQCLRSIGGVSLVHDVRFHFFIPRQINGTAYE  
AGGKAHCGPAIECFEYSRDPGLPCNIRKPCNRPGLGEPQPGVDFCLDAMVDRVYRQTKLEGALE  
QAIISQAPQVEKLIATTAHERMPWYHSSLTREAERKLYSGAQTGDKFLRPRKEQGTYALSIVGKTVVYH  
ISODAKGQICPEGTGKFDLWQVLYLLKADGLRILKCEACPNSSANSGAAPTLPAHPSLTLPSSG  
GGSGGGGGGGGGGGGGGAEEEMVSLAKPHRVTMNEFFELKLGKGTGKVLKVEKATGRYAKML

ФИГ. 14(Продолжение)

19/23

KKEVIVAKDEVAHTLTENRVLQNSRHPFLTALKYSFQTHDRLCFVMEYANGGELFFHLSRERVSEDRARF  
 YGAEIVSALDYLHSEKNVYRDLENNMLDKDGHKIDFGLCKEGIKDGATMKTFCGTPPEYLAPEVLED  
 NDYGRAVDVWGLGVVMYEMMCGRLPFYNODHEKLFELIMEEIRFPRTLGPPEAKSLLSGLLKKDPKOR  
 LGGGSEDAKEIMQHRFFAGVWQHVEKKLSPFPKQVTSETDTRYFDEEFTAQMITITPPDQDDSMCE  
 VDSERRPHFPQFSYSASGT

MPD - Домен SH2 ZAP70

SGG - Линкер

AEF - киназный домен AKT

>ZAPnf-AKT (SEQ ID No. 49)

MPDPAAHLPFFYGSISRAEAEHLKLAGMADGLFLRQCLRSLLGGYVLSLVHDVRFHHPPIERQLNGTYAE  
 AGGKAHCGPAELCEFYSRDPDGLPCNLKPCNRPSSGLEPQPGVDFCLRDAMVRDYVROTWKLEGEALE  
 QAIISQAPQVEKLIATTAHERMPWYHSSLTREEAERKLYSGAOTDGKFLKPRKEQGTALSLYIGKTVVHY  
 LISQDKAGKYCIPEGTKFDTLWQVLEYLKLKADGLIYCLKEACPNSSASNASGAAAPTLPAPSTLTHPAEF  
 MEVSLAKPKHRVTMNEFEYLKLLGKGTGKVLVKEKATGRYYAMKILKKEVIVAKDEVAHTLTENRVLQNS  
 SRHPFLTALKYSFQTHDRLCFVMEYANGGELFFHLSRERVSEDRARFYGAEIVSALDYLHSEKNVYRDLE  
 NENMLDKDGHKIDFGLCKEGIKDGATMKTFCGTPPEYLAPEVLEDNDYGRAVDVWGLGVVMYEMM  
 CGRLPFYNODHEKLFELIMEEIRFPRTLGPPEAKSLLSGLLKKDPKORLGGGSEDAKEIMQHRFFAGVWQH  
 VVEKKLSPFPKQVTSETDTRYFDEEFTAQMITITPPDQDDSMCEVDSERRPHFPQFSYSASGT

MPD - ZAP70, подвергнутый мутагенезу, чтобы сделать его нефункциональным

AEF - Киназа AKT

>ZAP\_SH2-TEV (SEQ ID No. 53)

MPDPAAHLPFFYGSISRAEAEHLKLAGMADGLFLRQCLRSLLGGYVLSLVHDVRFHHPPIERQLNGTYAE  
 AGGKAHCGPAELCEFYSRDPDGLPCNLKPCNRPSSGLEPQPGVDFCLRDAMVRDYVROTWKLEGEALE  
 QAIISQAPQVEKLIATTAHERMPWYHSSLTREEAERKLYSGAOTDGKFLKPRKEQGTALSLYIGKTVVHY  
 LISQDKAGKYCIPEGTKFDTLWQVLEYLKLKADGLIYCLKEACPNSSASNASGAAAPTLPAPSTLTHPSGG  
 GSGSGSGSGSGSGSGSLFKGPRDYNPISSTICHTNESDGHHTSLYIGIGFPFITNKHLFRNRNGTL  
 LVQSLHGVFKVKNNTTLQQLIDGRDMIIRMPKDFPPFPQKLKREPQREERICLVITTNFQTKSMSSMVS  
 DTSCTFPSSDGFVKKHWIOTKDGQCGSPVSTRDGFVGIHSASNFTNTNNYFTSVPKNFMELLTNQEAQ  
 QWVSGWRNLNADSVLWGGHKVFMSPKEEPFQPVKEATQLMNLVYSQ

MPD - Домен SH2 ZAP70

SLF - Протеаза TEV

>PTPN6\_SH2-TEV (SEQ ID No. 54)

MVRWFHRLDLSGLDAETLLKGRGVHGSFLARPSRKNQGDPSLSVRVGDOVTHIRIQNSGDFYDLYGGEKF  
 ATLTLEVEYITQOQGVLDQDGTIIHLKYPLNCSDPTSERWYHGHMSGGOAETLLQAKGEPWTFVRES  
 LSOPGDFVLVSLSDOPKAGPGSPRLVTHIKVMCEGGRYTVGGLETDFSLDLVEHFKKTGIEEASGAFVYU  
 ROPYMSGGGSLFKGPRDYNPISSTICHTNESDGHHTSLYIGIGFPFITNKHLFRNRNGTLVQSLHGV  
 KVKNTTLQQLIDGRDMIIRMPKDFPPFPQKLKREPQREERICLVITTNFQTKSMSSMVS DTSCTFPSS  
 DGFVKKHWIOTKDGQCGSPVSTRDGFVGIHSASNFTNTNNYFTSVPKNFMELLTNQEAQWVSGWR  
 RLNADSVLWGGHKVFMSPKEEPFQPVKEATQLMNLVYSQ

ФИГ. 14(Продолжение)

20/23

MVR - Домен SH2 PTPN6

SGG - Линкер

ELR - Протеаза TEV

&gt;RQR8-CD4tm-Endox1-tevS-VP16-GAL4 (SEQ ID No. 55)

MGTSLLCWMLCLLGADHADACPYSNPSLCSGGGGSELPTOGTFSNVSTNVSPAKPTTTACPYSNPSLC  
 SGGGSPAPRPPTPTPTIASQPLSLRPEACRPAAGGAVHTRGLDFACDMALVGGVAGLLIFLGLGIFFC  
 MCRHRRRQAERMAQIKRVVSEKTAQAPHRFQKTCSPISGGGGSENLYFQMPKKRKVAPPTDVS LGD  
 ELHLDGEDVAMAHADALDDFDLMLDGDGSPGPGFTPHDSAPYGALDMADFEFFQMTDALGIDEYG  
 SGGGSMQILVASDATMKLLSSIEQACDLCRLKLCSEKPKCAKCLKNNWECRYSPKTKRSPLTRAHLI  
 EVESRLERLEQLFLIFPREDLDMILKMDSLQDIKALLTGLFVQDNVKNDAVTDRLASVETDMPPLTRQHR  
 SATSSSESSNKGRQLTM

MGT - Домен RQR8

RCR - CD4tm

SGG - Линкер

ENL - Участок распознавания TEV

PKK - VP16

MQ - GAL4

&gt;aCD33-muCD8STK-PD1\_tm\_endo (SEQ ID No. 56)

MAVPTQVIGLLLLWLTDAECDIQMTQSPSSLSASVGDRTITCRASEDIYFNLVWYQKPGKAPKLIYD  
 TNRLADGVPSRFSGSGGTQYTLTISSLQPEDFATYYCQHYKNYPLTFGGQGTKLEIKRSGGGGSGGGSGG  
 GGGSGGGGSRSEYQLVESGGGLVQPGGSLRLSCAASGFTLSNYGMHWIRQAPGKLEWYSSISLNGGS  
 IYYRDSVKGRFTISRDNAKSTLYLQMNSLRAEDTAVYCAAQDAYTGGYFDYWGGGLVTVSSMDPATIT  
 TKPVLRTSPVHPTGTSQPORPEDCRPRGSKGTGLDFACDIYGVVGGILGSLVLLVWVLAIVCSRAAR  
 GTIGARRTGQPLKEDPSAVPVFSDYGEIDFQWREKTPPPVPCVPEQTEYATIVFPSGMGTSSPARRGS  
 ADGPRSAQPLRPEDGHCSWPI

MAV - антитело против CD33

ITI - стеблевая область CD8 альфа мыши

MGM - Эндодомен PD1

&gt;aCD19-hCD8STK-CD28tm-Endox1-tevS-Z (SEQ ID No. 57)

CAR против CD19 с расщепляемым эндодоменом дзета

MSLPVTALLPLALLHAARPDQMTQTSSLSASLGDRVTISCRASQDISKYLNWYQKPGDGTVKLIYH  
 SRLHSGVPSRFSGSGGTQYSLTISNLEQEDATYFCQGNLTLYTFGGGKLEIKAGGGSGGGSGGG  
 SGGGGSEVKLQESGPGLVAPSSLSVTCTVSGVSLPDYGVSWIRQPPRKLEWLGVIWGETTYNNSAI  
 KSLTIKDNSKQVFLKMNLSLQTDITAIYCAKHYYGGSYAMDYWGQGTSTVTSSTPTTTPAPRPPTP  
 APTIASQPLSLRPEACRPAAGGAVHTRGLDFACDFWVLLVVGGLACYSLLVTVAIFWVRCRHRRRQ  
 AERMAQIKRVVSEKTAQAPHRFQKTCSPISGGGGSENLYFQMRVKFSRSADAPAYQQGQNQLYNEI  
 NLGRREYDVLDKRRGRDPENMGKPRRKNPQGLYNELQDKMAEAYSEIGMKGERRRGKHHDGLYC  
 GLSTATKDTYDALHMQALPPR

ФИГ. 14(Продолжение)



21/23

MSL - антитело против CD19  
 PTH - стеблевая область CD8 альфа  
 FWV - Трансмембранный домен CD28  
 ACR - Endox1  
 ENL - Участок распознавания TEV  
 RRM - Эндодомен CD3 дзета

>aCD19-hCD8STK-CD28tmZ-tevS-CD148endo (SEQ ID No. 58)

CAR против CD19 с эндодоменом дзета и расщепляемым каталитическим доменом CD148

MSLPVTALLPLALLHAARPDQMGTQTSSLSASLGDRVTISCRASQDISKYLNWYQKPDGTVKLLIYHT  
 SRLHSGVPSRFSGSGSDTDYSLTISNLEQEDIAITYFCQGGNTLPYTFGGGTKEITKAGGGGSGGGGSGGG  
 GSGGGGSEVKLQESGPGLVAPSSQSLVCTVSGVSLPDYGVSWIRQPPRKGLEWLGVIWGSSETTYNSAL  
 KSRLLTIKDNKSQVFLKMNSLODDTAIYYCAKHYYGGSYAMDYWGQGSVTYSSDPTTTPAPRPPTP  
 APTIASQPLSLRPEACRPAAGGAVHTRGLDFACDIFWVLLVVGGLVACYSLLVTVAFHFWVRRVKFSRSA  
 DAPAYQOQGNQLYNELNLGRREEYDLDKRRGRDPFMGGKPRRKNPQEGLYNELQDKDMAEAYSEIG  
 MKGERRRRGKHGDLGYQGLSTATKDTYDALHMQALPPRENLYFQMAVFGCIFGALVIVTVGGHFWRRKK  
 RKDAKNNEVSFSQIKPKSKLIRVENFEAYFKQQAADSNCGFAEEYEDKLVGISQPKYAAELAENRGKNR  
 YNNVLPYDISRVKLSVQTHSTDDYINANYMPGYHSKKDFIATQGLPNTLKDFWRMVMWEKNVYAIIMLT  
 KCVQGRGTKCEEYVPSKQAQDYGDITVAMTSEIVLPEWTIRDFTVKNQTSSESHPLRQFHFTSWPDHGV  
 PDTDLLINFRYLVRDYMKQSPPEPILVHCSAGVGRGTGTIAIDRLYQIENENTVDYGVIVYDLRMHRPL  
 MVQTEDQYVFLNQCVLDIVRSQKDSKVDLIYQNTTAMTIYENLAPVTTFGKTNGYIA

MSL - антитело против CD19  
 PTH - стеблевая область CD8 альфа  
 FWV - Трансмембранный домен CD28  
 RRM - Эндодомен CD3 дзета  
 ENL - Участок распознавания TEV  
 AVH - Эндодомен CD148

>dualSH2 SHP-1-ZAP70 kinase (SEQ ID No. 61)

MFHPNITGVFAENLLTRGVDSFLARPSKSNPGDFTLSVRRNGAVTHIKIONIGDYDLYG  
 CEKFTALAEVQYMEHNGQKEKNGDVIELKYPINCADPTSERWFHGHLSGKEAEKLLTE  
 KGKHGSLVRESQSHPGDFVLSVRTGDDKGESNDGKSKVTHVMIRCOELKYDVGGGERFD  
 SLTDLVEHYKKNPVETLCTVLQKOPINTTRINPNSSASNASCAAPTLPAPBSTLTHQBR  
 RIDTLNSDGYTPPARITSPDYKPRPMPMDTSYESSYSDPEELKDKKLEKRONLIADIELGG  
 GN-GSVRQGVYRMRKKQDVAIKVLKGGTEKADTEEMMREAQIMHOLDNPIYVRLIGVCOAE  
 ALMLVMEMAGGGPLHKFLVGRREEPVSNVAELTHOVSMGMKYLEKNFVHRDLAARNVLI  
 MNRHYAKISDFGLSKALGADDSYITARSAGKWPLKWYAPECINFRKFSSRSBWSYGVITM  
 MEALSYGQRPYKKMKGPEVMAFIEQGKRMECPPECPEELALMSDCWIYKWEORPDLTLM  
 EQRMRACTYSI

MFH - Первый домен SH2 из SHP-2  
 NCA - Линкер  
 WFH - Второй домен SH2 из SHP-2  
 NTL - Линкер  
 LA - Протеинкиназа Zap-70

>-dualSH2 SHP-2-Akt Kinase (SEQ ID No. 62)

MFHPNITGVFAENLLTRGVDSFLARPSKSNPGDFTLSVRRNGAVTHIKIONIGDYDLYG  
 CEKFTALAEVQYMEHNGQKEKNGDVIELKYPINCADPTSERWFHGHLSGKEAEKLLTE  
 KGKHGSLVRESQSHPGDFVLSVRTGDDKGESNDGKSKVTHVMIRCOELKYDVGGGERFD

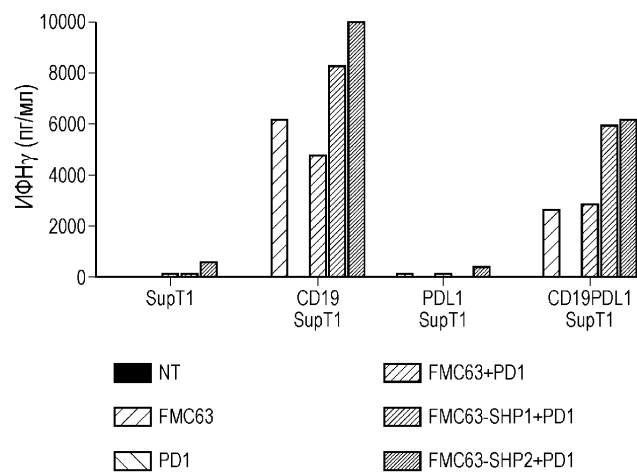
ФИГ. 14(Продолжение)

22/23

SLTDLVEHYKKNPMVETLGTVLQKQPIINTTRNAFEEMEYSLAKPKHRVTMNEFEYKLLGK  
GTFGKVLVKEKATGRYYAMKILKKEVIVAKDEVAHITLTENRVLONSRRHFLTALKYSFQTHD  
RLCFVMEYANGGELFFHLSRERVSEDRARFYGAIVSALDYHSEKNVVYRDLKLENLMLD  
KDGHIKIDFGLCCKEGIKDGAIMKTFCGTPEYLAPEVLEDNDYGRAVDWWGLGVVMEYEMMC  
GRLPFYNDHEKLFELILMEEIRFPRTLGPFAKSLSGLLKKDPKQRLGGGSEDAKEIMQHRF  
FAGIVWQHVYKELSPPEKPKQVITSETDIRYFDEEFTACMIITIPFDQDDSMEDVDSERRPHF  
RQESYSASGTA

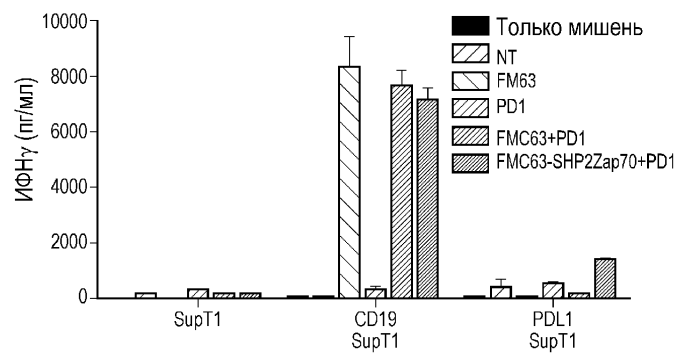
WFB-Первый домен SH2 из SHP-2  
NCA-Линкер  
WFH-Второй домен SH2 из SHP-2  
NTI-Линкер  
FEY-Протеинкиназа АКТ  
REF-Линкер  
AGI-С-концевая АGC-киназа АКТ

ФИГ. 14(Продолжение)

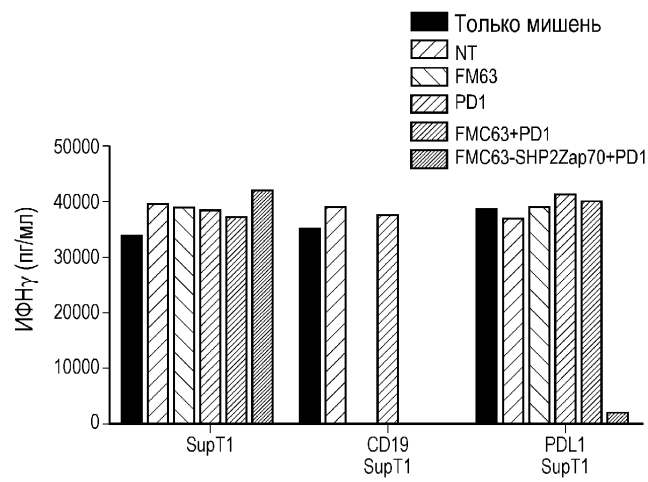


ФИГ. 15

23/23



ФИГ. 16А



ФИГ. 16В