

【公報種別】特許法第17条の2の規定による補正の掲載

【部門区分】第1部門第1区分

【発行日】平成23年8月18日(2011.8.18)

【公表番号】特表2008-504803(P2008-504803A)

【公表日】平成20年2月21日(2008.2.21)

【年通号数】公開・登録公報2008-007

【出願番号】特願2006-549442(P2006-549442)

【国際特許分類】

C 1 2 Q 1/68 (2006.01)

C 1 2 Q 1/02 (2006.01)

C 1 2 Q 1/04 (2006.01)

C 1 2 N 15/09 (2006.01)

C 1 2 M 1/00 (2006.01)

A 6 1 K 45/00 (2006.01)

A 6 1 K 48/00 (2006.01)

A 6 1 K 31/7088 (2006.01)

A 6 1 P 35/00 (2006.01)

A 6 1 P 43/00 (2006.01)

G 0 1 N 37/00 (2006.01)

A 6 1 K 38/00 (2006.01)

A 6 1 K 39/395 (2006.01)

【F I】

C 1 2 Q 1/68 Z N A A

C 1 2 Q 1/02

C 1 2 Q 1/04

C 1 2 N 15/00 A

C 1 2 N 15/00 F

C 1 2 M 1/00 A

A 6 1 K 45/00

A 6 1 K 48/00

A 6 1 K 31/7088

A 6 1 P 35/00

A 6 1 P 43/00 1 0 5

G 0 1 N 37/00 1 0 2

A 6 1 K 37/02

A 6 1 K 39/395 E

A 6 1 K 39/395 T

【誤訳訂正書】

【提出日】平成22年12月15日(2010.12.15)

【誤訳訂正1】

【訂正対象書類名】特許請求の範囲

【訂正対象項目名】全文

【訂正方法】変更

【訂正の内容】

【特許請求の範囲】

【請求項1】

細胞サンプルを、前立腺癌の指標として、または前立腺癌の指標ではないとして分類するのを補助する方法であって、該方法は、参照と比較して1つもしくはそれ以上の遺伝子の

発現レベルを検出する工程を包含し、該遺伝子は、少なくとも1つの指示遺伝子を含み、ここで、該少なくとも1つの指示遺伝子は、(a) 配列番号36645のヌクレオチド配列、またはその相補体と、少なくとも90%同一であるヌクレオチド配列、あるいは(b) 配列番号36645のヌクレオチド配列またはその相補体と、高ストリンジェンシー下で、ハイブリダイズするヌクレオチド配列、のいずれかを含み、方法。

【請求項2】

サンプルを、前立腺癌の指標として、または前立腺癌の指標ではないとして分類するための組成物であって、該組成物が、参照に対して1つもしくはそれ以上の遺伝子の発現レベルを検出し、該遺伝子が、少なくとも指示遺伝子を含み、ここで該少なくとも1つの指示遺伝子が、(a) 配列番号36645のヌクレオチド配列、またはその相補体と、少なくとも90%同一であるヌクレオチド配列、あるいは(b) 配列番号36645のヌクレオチド配列またはその相補体と、高ストリンジェンシー下でハイブリダイズするヌクレオチド配列、のいずれかを含み、組成物。

【請求項3】

前記組成物が、参照に対する遺伝子の発現レベルを検出し、該遺伝子が、少なくとも2、3、4、5、7、10、15、20、30、40、50、75、100、150、200、300、400、500、750、1,000、1,250、1,500、1,750、2,000、2,250、2,500、または2750の指示遺伝子を含む、請求項1に記載の方法、または請求項2に記載の組成物。

【請求項4】

マイクロアレイであって、該アレイの少なくとも50%、70%、80%、90%、95%、97%、98%または99%の遺伝子座が、請求項1～3のいずれかに記載の2つもしくはそれ以上の指示遺伝子の発現レベルを特異的に検出する、マイクロアレイ。

【請求項5】

前立腺癌を処置するための組成物であって、該組成物は、

(a) 配列番号36645のヌクレオチド配列またはその相補体を含む遺伝子の産物、および、

(b) 配列番号36645のヌクレオチド配列またはその相補体と、高ストリンジェンシー下でハイブリダイズするヌクレオチド配列を含む遺伝子産物、

からなる群より選択される遺伝子産物の活性を調節する、組成物であって、ここで、該組成物は、抗体、アンチセンス化合物、リボザイム、DNAzyme、RNA干渉化合物、小分子、およびそれらの任意の組み合わせからなる群より選択される、該遺伝子産物の活性を阻害する化合物を含有する、組成物。

【請求項6】

前立腺癌を阻害するための組成物の調製のための化合物の使用であって、該化合物が、

(a) 配列番号36645のヌクレオチド配列またはその相補体を含む遺伝子の産物、および、

(b) 配列番号36645のヌクレオチド配列またはその相補体と、高ストリンジェンシー下でハイブリダイズするヌクレオチド配列を含む遺伝子産物、

からなる群より選択される遺伝子産物の活性を調節する、使用であって、ここで、該化合物が、抗体、アンチセンス化合物、リボザイム、DNAzyme、RNA干渉化合物、小分子、遺伝子をコードする異種核酸分子、遺伝子産物、およびそれらの任意の組み合わせからなる群より選択される、使用。

【請求項7】

前記調節化合物が、遺伝子をコードするmRNAまたはタンパク質遺伝子産物に特異的に結合する、請求項5に記載の組成物。

【請求項8】

前記組成物が、遺伝子をコードする異種核酸分子、遺伝子産物、およびそれらの組み合わせからなる群より選択される遺伝子産物の活性を増加させる化合物をさらに包含する、請求項5に記載の組成物。

【請求項 9】

前記異種核酸分子が、発現ベクターである、請求項 8 に記載の方法。

【請求項 10】

前立腺癌の処置に有用な化合物を同定するためのスクリーニング方法であって、該方法は、

試験化合物と細胞を接触させる工程であって、該細胞は、

(a) 配列番号 3 6 6 4 5 のヌクレオチド配列またはその相補体を含む遺伝子、および

(b) 配列番号 3 6 6 4 5 のヌクレオチド配列またはその相補体と、高ストリンジェンシーでハイブリダイズするヌクレオチド配列を含む遺伝子、

からなる群より選択される遺伝子を発現する、工程、ならびに

該遺伝子の発現レベルを測定する工程であって、ここで、参照に対する発現レベルの変化が、該化合物を該遺伝子の発現を調節する化合物として同定する、工程

を包含する、スクリーニング方法。

【請求項 11】

前立腺癌の処置に有用な化合物を同定するためのスクリーニング方法であって、該方法は、

試験化合物と遺伝子産物を接触させる工程であって、該遺伝子産物は、

(a) 配列番号 3 6 6 4 5 のヌクレオチド配列またはその相補体を含む遺伝子の産物、および

(b) 配列番号 3 6 6 4 5 のヌクレオチド配列またはその相補体と、高ストリンジェンシーでハイブリダイズするヌクレオチド配列を含む遺伝子の産物、

からなる群より選択される、工程、ならびに

(i) 該遺伝子産物に特異的に結合する試験化合物を同定する工程、または

(i i) 該遺伝子産物に結合することが知られている化合物の結合を阻害する、試験化合物を同定する工程、のいずれか

を包含する、スクリーニング方法。

【請求項 12】

前立腺癌予後の指標として、細胞サンプルを分類することを補助するための方法であって、該方法は、参照に対して 1 もしくはそれ以上の遺伝子の発現レベルを検出する工程を包含し、該遺伝子は、少なくとも 1 つの指示遺伝子を含み、ここで少なくとも 1 つの指示遺伝子は、

(a) 配列番号 3 6 6 4 5 のヌクレオチド配列またはその相補体と、少なくとも 90 % 同一であるヌクレオチド配列、あるいは

(b) 配列番号 3 6 6 4 5 のヌクレオチド配列またはその相補体と、高ストリンジェンシーでハイブリダイズするヌクレオチド配列、のいずれかを含む、方法。

【請求項 13】

前立腺癌予後の指標として、サンプルを分類するための組成物であって、ここで、該組成物が、参照に対して 1 つもしくはそれ以上の遺伝子の発現レベルを検出し、該遺伝子が、少なくとも 1 つの指示遺伝子を含み、ここで少なくとも 1 つの指示遺伝子が、

(a) 配列番号 3 6 6 4 5 のヌクレオチド配列またはその相補体と、少なくとも 90 % 同一であるヌクレオチド配列、あるいは

(b) 配列番号 3 6 6 4 5 のヌクレオチド配列またはその相補体と、高ストリンジェンシーでハイブリダイズするヌクレオチド配列、のいずれかを含む、組成物。

【請求項 14】

前記組成物が、参照に対する遺伝子の発現レベルを検出し、該遺伝子が、少なくとも 2、3、4、5、7、10、15、20、30、40、50、75、100、150、200、300、400、500、750、1,000、1,250、1,500、1,750、2,000、2,250、2,500、または 2750 の指示遺伝子を含む、請求項 12 に記載の方法、または請求項 13 に記載の組成物。

【請求項 15】

マイクロアレイであって、該アレイの少なくとも50%、70%、80%、90%、95%、97%、98%または99%の遺伝子座が、請求項12～14のいずれかに記載の2つもしくはそれ以上の指示遺伝子の発現レベルを特異的に検出する、マイクロアレイ。

【請求項16】

前記前立腺癌予後が、腫瘍再発、腫瘍の攻撃性、腫瘍の不活性さ、被験体の生存および腫瘍処置の成功の可能性からなる群より選択される、請求項12または14に記載の方法、あるいは、請求項13に記載の組成物。

【請求項17】

少なくとも2つの遺伝子産物を含む請求項1～16のいずれかに記載の方法、組成物、または、マイクロアレイであって、ここで、配列番号36645以外の少なくとも1つの遺伝子産物が、腫瘍における改変t統計値 > 2.5 または ≤ -2.5 を有するプローブまたはIdentifier/Locus Linkに相当する、方法、組成物、または、マイクロアレイ。

【請求項18】

少なくとも2つの遺伝子産物を含む請求項1～16のいずれかに記載の方法、組成物、または、マイクロアレイであって、ここで、配列番号36645以外の少なくとも1つの遺伝子産物が、良性前立腺肥大(BPH)における改変t統計値 > 2.5 または ≤ -2.5 を有するプローブまたはIdentifier/Locus Linkに相当する、方法、組成物、または、マイクロアレイ。

【請求項19】

少なくとも2つの遺伝子産物を含む請求項1～16のいずれかに記載の方法、組成物、または、マイクロアレイであって、ここで、配列番号36645以外の少なくとも1つの遺伝子産物が、間質における改変t統計値 > 2.5 または ≤ -2.5 を有するプローブまたはIdentifier/Locus Linkに相当する、方法、組成物、または、マイクロアレイ。

【請求項20】

配列番号36645以外の前記遺伝子産物が、

(a) 腫瘍における改変t統計値 ≥ 2.5 または ≤ -2.5 を有するとして、表9で同定されるプローブのヌクレオチド配列と、少なくとも90%同一であるヌクレオチド配列を含む遺伝子産物、

(b) 腫瘍における改変t統計値 ≥ 2.5 または ≤ -2.5 を有するとして、表9で同定されるIdentifierおよびLocus Linkによってコードされた遺伝子のヌクレオチド配列と、少なくとも90%同一であるヌクレオチド配列を含む遺伝子産物、

(c) 間質における改変t統計値 ≥ 2.5 または ≤ -2.5 を有するとして、表10で同定されるプローブのヌクレオチド配列と、少なくとも90%同一であるヌクレオチド配列を含む遺伝子産物、および

(d) 間質における改変t統計値 ≥ 2.5 または ≤ -2.5 を有するとして、表10で同定されるIdentifierおよびLocus Linkによってコードされた遺伝子のヌクレオチド配列と、少なくとも90%同一である、ヌクレオチド配列を含む遺伝子産物、

からなる群より選択される、請求項1～16のいずれかに記載の方法、組成物、または、マイクロアレイ。

【請求項21】

前記改変t統計値が、 ≥ 3 または ≤ -3 である、請求項17～20のいずれかに記載の方法、組成物、または、マイクロアレイ。

【請求項22】

前記改変t統計値が、 ≥ 3.5 または ≤ -3.5 である、請求項17～20のいずれかに記載の方法、組成物、または、マイクロアレイ。

【請求項23】

前記改変t統計値が、 ≥ 4 または ≤ -4 である、請求項17～20のいずれかに記載の方

法、組成物、または、マイクロアレイ。

【請求項 2 4】

前記改変 t 統計値が、 ≥ 4.5 または ≤ -4.5 である、請求項 1 7 ～ 2 0 のいずれかに記載の方法、組成物、または、マイクロアレイ。

【請求項 2 5】

前記改変 t 統計値が、 ≥ 5 または ≤ -5 である、請求項 1 7 ～ 2 0 のいずれかに記載の方法、組成物、または、マイクロアレイ。

【請求項 2 6】

前記少なくとも 1 つの遺伝子産物が、少なくとも 2 つの遺伝子産物を含み、配列番号 3 6 6 4 5 以外の該少なくとも 1 つの遺伝子産物が、表 1 4 で提供される遺伝子産物または遺伝子を含まない、請求項 1 ～ 2 5 のいずれかに記載の方法、組成物、または、マイクロアレイ。

【請求項 2 7】

遺伝子の発現レベルが、遺伝子の産物を検出することによって検出される、請求項 1 ～ 4 のいずれかに記載の方法、組成物、または、マイクロアレイ。

【請求項 2 8】

前記遺伝子の産物が、遺伝子から転写された R N A、および遺伝子から転写された m R N A から翻訳されたタンパク質からなる群より選択される、請求項 5 ～ 2 7 のいずれかに記載の方法、化合物またはマイクロアレイ。

【請求項 2 9】

前立腺癌を検出するための、配列番号 3 6 6 4 5 に示されるマーカーを検出することにおいて有用な核酸、ポリペプチドおよび／または抗体を含む、キット。

【請求項 3 0】

前立腺癌を処置または予防するための請求項 5 に記載の組成物であって、該組成物はさらに、腫瘍マーカーとして列挙され、配列番号 3 6 6 4 5 でアップレギュレートされる遺伝子の発現を抑制するか、または、該遺伝子の産物を阻害もしくは中和する化合物を含有し、ここで、該化合物が、該遺伝子または遺伝子産物を中和する、抗体、アンチセンス、リボザイム、D N A z y m e、R N A 干渉、および／または小分子治療から選択される、組成物。

【請求項 3 1】

前立腺癌を処置または予防するための請求項 5 に記載の組成物であって、該組成物はさらに、早期再発前立腺癌サンプルの腫瘍上皮細胞中でアップレギュレートされる遺伝子の発現を抑制するか、または、該遺伝子の遺伝子産物を阻害もしくは中和する化合物を含有し、ここで、このような遺伝子は、表 8 中のカラム G のように、R S : T に関して $T > 3$ を有し、ここで、該化合物が、該遺伝子または遺伝子産物を中和する、抗体、アンチセンス、リボザイム、D N A z y m e、R N A 干渉、および／または小分子治療から選択される、組成物。

【請求項 3 2】

前記組成物が、2 つもしくはそれ以上のヌクレオチドプローブ、ヌクレオチドプローブアレイ、2 つもしくはそれ以上の抗体、抗体アレイ、および 2 つもしくはそれ以上の P C R プライマー対からなる群より選択される組み合わせを含む、請求項 2 または請求項 1 3 に記載の組成物。

【請求項 3 3】

細胞サンプルを、前立腺癌の指標として、または、良性前立腺肥大の指標として分類するための、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 3 4】

サンプルを、前立腺癌の指標として、または、良性前立腺肥大の指標として分類するための、請求項 2 に記載の組成物。

【誤訳訂正 2】

【訂正対象書類名】明細書

【訂正対象項目名】全文

【訂正方法】変更

【訂正の内容】

【発明の詳細な説明】

【発明の名称】遺伝子発現の細胞型特異的パターン

【技術分野】

【0001】

(連邦政府によって資金援助を受けている研究についての記載)

米国政府は、国立衛生研究所によって授与された、助成金番号CA84998に従って、本開示における特定の権利を有する。

【0002】

(関連出願の相互参照)

本出願は、2004年1月9日に申請された、仮出願明細書番号第60/535,382号、および2004年1月12日に申請された、仮出願明細書番号第60/536,163号より、35 U. S. C. § 119下で、優先権を主張する。許容される場合、これらの明細書の開示が、参考として本明細書に援用される。

【0003】

(技術分野)

本発明は、細胞内での遺伝子発現を決定するための方法に関する。

【背景技術】

【0004】

(背景)

複数の疾患および障害が、組織内の特定の遺伝子発現の結果である。たとえば、前立腺癌は、男性におけるもっとも一般的な悪性腫瘍であり、多くの罹患率および死亡率を引き起こす(非特許文献1)。したがって、そのような疾患および障害のための、信頼性のある早期診断および予防マーカー、および治療標的でありうる、遺伝子を同定することを試みることに對し、主要な動機が存在する。

【非特許文献1】Howe et al., J. Natl. Cancer Inst., 2001年, 93, p. 824-842

【発明の開示】

【課題を解決するための手段】

【0005】

(要旨)

本明細書で提供された方法、組成物、組み合わせおよびキットは、1つより多い種類の細胞を含むサンプル中での、遺伝子発現の、細胞型特異的パターンの同定のための、回帰に基づくアプローチを利用する。1つの実施例において、本明細書で提供された方法、組成物、組み合わせおよびキットは、癌における遺伝子発現の細胞型特異的パターンの同定のための、回帰に基づくアプローチを利用する。本明細書で提供されたこれらの方法、組成物、組み合わせおよびキットは、悪性対非悪性細胞で異なって発現される遺伝子の同定で使用され、さらに、悪性細胞に関連しない非悪性細胞と比較して、悪性細胞に関連する非悪性細胞の遺伝子発現における、腫瘍依存的な変化を同定することが可能である。本明細書で提供された方法、組成物、組み合わせおよびキットはまた、1つもしくはそれ以上の細胞型における遺伝子発現と、表現型を相関させることにおいて利用可能である。

【0006】

異種細胞サンプルにおける、1つもしくはそれ以上の細胞型での遺伝子発現レベルを決定するための、方法、組成物、組み合わせおよびキットが本明細書で提供される。たとえば、そのような方法には、少なくとも2つのサンプルが、各細胞型の同様の相対含量を含まない、2つもしくはそれ以上の関連した異種細胞サンプルにおける、各々の細胞型の相対含量を決定する工程、各サンプル中の1つもしくはそれ以上の遺伝子発現解析物の総レ

ベルを測定する工程、各細胞型の相対含量と、測定した総レベル間の回帰相関を決定する工程、回帰相関にしたがった、各細胞型における1つもしくはそれ以上の解析物各々のレベルを計算する工程が含まれ、ここで、遺伝子発現レベルが、解析物を計算したレベルと相関する。たとえば、そのような方法には、少なくとも2つのサンプルが、各細胞型の同様の相対含量を含まない、2つもしくはそれ以上の関連異種細胞サンプル中の、各細胞型の相対含量を決定する工程、各サンプル中の2つもしくはそれ以上の遺伝子発現解析物の総レベルを測定する工程、各細胞型の相対含量と、測定した総レベル間の回帰相関を決定する工程、および、回帰相関にしたがった、各細胞型における2つもしくはそれ以上の解析物各々のレベルを計算する工程が含まれ、ここで、遺伝子発現レベルが、解析物の計算レベルに相関する。そのような方法には、さらに、少なくとも1つの他の細胞型に対して、少なくとも1つの細胞型において、異なった形で発現された遺伝子を同定することが含まれる。そのような方法には、解析物を、核酸分子およびタンパク質より選択可能である。

【0007】

別の実施形態において、本明細書で提供された方法、組成物、組み合わせおよびキットが、非悪性細胞に対して、悪性細胞内で異なった形で発現される遺伝子を同定するために提供される。そのような方法には、2つもしくはそれ以上の細胞サンプルが、少なくとも1つの、悪性細胞を含む第一サンプルと、第一サンプルと同様の相対含量で各細胞型を含まない第二サンプルが含まれる、2つもしくはそれ以上の同様の組織または器官の細胞サンプル中の、各細胞型の相対含量を決定する工程、各サンプル中の1つもしくはそれ以上の遺伝子の総発現レベルを測定する工程、各細胞型の相対含量と、測定した総レベル間の回帰相関を決定する工程、回帰相関にしたがった、各細胞型における1つもしくはそれ以上の解析物各々のレベルを計算する工程および非悪性細胞に対して、悪性細胞にて異なった形で発現した遺伝子を同定する工程、が含まれる。そのような方法はまた、2つもしくはそれ以上の細胞サンプルが、少なくとも1つの、悪性細胞を含む第一サンプル、および第一サンプルと同様の相対含量で、各細胞型を含まない第二サンプルを含む、同一の組織または器官の2つもしくはそれ以上の細胞サンプル中の、各細胞型の相対含量を決定する工程、各サンプル中の2つもしくはそれ以上の遺伝子の総発現レベルを測定する工程、各細胞型の相対含量と、測定した総レベル間の回帰相関を決定する工程、回帰相関に従って、各細胞型における2つまたはそれ上の遺伝子の各々のレベルを計算する工程、および非悪性細胞に対して、悪性細胞内で異なった形で発現した遺伝子を同定する工程、が含まれる。

【0008】

被験体中の1つもしくはそれ以上の細胞型を特徴付けるための、方法、組成物、組み合わせおよびキットも、本明細書内で提供される。例えば、そのような方法には、被験体からの異種細胞サンプル中の1つもしくはそれ以上の遺伝子の発現レベルを測定する工程、複数の参照レベルが、2つもしくはそれ以上の細胞型の指標である、1つもしくはそれ以上の遺伝子の、複数の参照発現レベルに対して、測定されたレベルを比較する工程、およびもし測定されたレベルがサンプル中の特定の細胞型の指標の参照レベルと一致する場合、特定の細胞型を有するとして、被験体を同定する工程、が含まれる。他の実施例において、そのような方法には、被験体からの、被験体からの異種細胞サンプル中の2つもしくはそれ以上の遺伝子の発現レベルを測定する工程、複数の参照レベルが、2つもしくはそれ以上の細胞型の指標である、2つもしくはそれ以上の遺伝子の複数の参照発現レベルと、測定されたレベルを比較する工程、および、もし測定されたレベルがサンプル中の特定の細胞型の指標の参照レベルと一致する場合、特定の細胞型を有するとして、被験体を同定する工程、が含まれる。他の実施形態において、被験体からの細胞サンプル中の1つもしくはそれ以上の遺伝子の発現レベルを測定する工程、参照発現レベルを、本明細書で提供した方法に従って決定する、1つもしくはそれ以上の遺伝子の参照発現レベルに対して、測定されたレベルを比較する工程、および、もし測定されたレベルがサンプル中の特定の細胞型の指標の参照レベルと一致する場合、特定の細胞型を有するとして、被験体

を同定する工程、によって、被験体中の1つもしくはそれ以上の細胞型を特徴付けるための、方法、組成物、組み合わせおよびキットが本明細書で提供される。他の実施形態において、被験体からの細胞サンプルにおける2つもしくはそれ以上の遺伝子の発現レベルを測定する工程、測定されたレベルを、二つもしくはそれ以上の遺伝子の参照発現レベルと比較する工程であって、ここで、参照発現レベルは、本明細書で提供された方法に従って測定される、工程、そして、もし測定されたレベルが、サンプル中の特定の細胞型の指標である、参照レベルに適合した場合、特定の細胞型を有するとして被験体を同定する工程によって、被験体中の1つもしくはそれ以上の細胞型を特徴付けるための、方法、組成物、組み合わせおよびキットが、本明細書で提供される。そのような方法において、特定の細胞型は、被験体内で、悪性細胞、および悪性細胞に隣接した非悪性細胞からなる群から選択可能である。被験体からの異種細胞サンプル中の1つもしくはそれ以上の遺伝子の発現レベルを測定する工程、測定されたレベルを、1つもしくはそれ以上の遺伝子の、複数の参照発現レベルと比較する工程であって、ここで複数の参照レベルが、2つもしくはそれ以上の細胞型の指標である、工程、ならびに、測定されたレベルが、サンプル中の悪性細胞、または被験体中の悪性細胞に隣接したサンプル中の非悪性細胞の指標である参照レベルと適合する場合、被験体を、悪性細胞を有すると同定する工程、によって、被験体を、悪性細胞を有するとして同定するための方法も、本明細書で提供される。被験体からの異種細胞サンプル中の2つもしくはそれ以上の遺伝子の発現レベルを測定する工程、測定されたレベルを、2つもしくはそれ以上の遺伝子の、複数の参照発現レベルと比較する工程であって、ここで、前記複数の参照レベルが、2つもしくはそれ以上の細胞型の指標である、工程、そして、測定されたレベルが、サンプル中の悪性細胞の、または被験体内の悪性細胞に隣接した、サンプル中の非悪性細胞の指標である参照レベルと適合する場合、被験体を、悪性細胞を有すると同定する工程によって、悪性細胞を有するとして被験体を同定するための方法も、本明細書で提供される。他の実施形態において、被験体からの細胞サンプル中の1つもしくはそれ以上の遺伝子の発現レベルを測定する工程、測定されたレベルを、2つもしくはそれ以上の遺伝子の参照発現レベルと比較する工程であって、ここで、前記複数の参照レベルが、2つもしくはそれ以上の細胞型の指標である、工程、そして、測定されたレベルが、サンプル中の悪性細胞の、または被験体内の悪性細胞に隣接した、サンプル中の非悪性細胞の指標である参照レベルと適合する場合、被験体を、悪性細胞を有すると同定する工程によって、被験体を悪性細胞を有するとして同定する方法が、本明細書で提供される。他の実施形態において、被験体からの細胞サンプルにおける2つもしくはそれ以上の遺伝子の発現レベルを測定する工程、測定されたレベルを、2つもしくはそれ以上の遺伝子の参照発現レベルと比較する工程であって、ここで、参照発現レベルは、本明細書で提供された方法に従って測定される、工程、そして、測定されたレベルが、サンプル中の悪性細胞の、または被験体内の悪性細胞に隣接した、サンプル中の非悪性細胞の指標である参照レベルと適合する場合、被験体を、悪性細胞を有すると同定する工程によって、被験体を悪性細胞を有するとして同定する方法が、本明細書で提供される。被験体中の悪性細胞に隣接したサンプル中の、非悪性細胞に関して、被験体からの細胞サンプルをアッセイし、悪性細胞隣接非悪性細胞が、サンプル中に存在する場合、被験体を、悪性細胞を有するとして同定することによって、被験体を悪性細胞を有するとして同定する方法が、本明細書で提供される。そのような方法において、悪性細胞隣接非悪性細胞が間質細胞でありうる。

【0009】

2つもしくはそれ以上の表現型に相当する、1つもしくはそれ以上の細胞型における、遺伝子発現レベルを決定するための、方法、組成物、組み合わせおよびキットも本明細書で提供される。たとえば、そのような方法には、少なくとも2つのサンプルが、同様の相対含量の各々の細胞型を含まず、少なくとも2つのサンプルが、異なる表現型に相当する、2つもしくはそれ以上の異種細胞サンプル中で、各細胞型の相対含量を決定する工程、各サンプル中の1つもしくはそれ以上の遺伝子発現解析物の総レベルを測定する工程、各表現型に関して、各細胞型の相対含量と、測定した総レベル間の回帰相関を決定する工程

、および、各表現型に関する各細胞型における遺伝子発現レベルが、解析物の計算されたレベルに相当する、回帰相関にしたがった、各表現型に関する各細胞型における、1つもしくはそれ以上の解析物の各々のレベルを計算する工程、が含まれる。他の実施例において、そのような方法には、少なくとも2つのサンプルが、各細胞型の同様の相対含量を含まず、少なくとも2つのサンプルが、異なる表現型に相当する、2つもしくはそれ以上の関連異種細胞サンプル中の、各細胞型の相対含量を決定する工程、各サンプル中の2つもしくはそれ以上の遺伝子発現解析物の総レベルを測定する工程、各表現型に関する、各細胞型の相対含量と、測定した総レベル間の回帰相関を決定する工程、および各表現型の各細胞型における遺伝子発現レベルが、計算された解析物のレベルに相当する、回帰相関にしたがった、各表現型に関する、各細胞型における2つもしくはそれ以上の解析物のレベルを計算する工程、が含まれる。被験体の表現型を同定するための方法、組成物、組み合わせおよびキットも、本明細書にて提供される。たとえば、そのような方法には、被験体からの細胞サンプル中の1つもしくはそれ以上の遺伝子の発現レベルを測定する工程、参照発現レベルが、本明細書で提供された方法に従って決定される、前記測定されたレベルを、1つもしくはそれ以上の遺伝子の参照発現レベルと比較する工程、測定されたレベルが、特定の表現型の指標である参照レベルと一致した場合、被験体を、特定の表現型を有するとして同定する工程、が含まれる。他の実施例において、そのような方法には、被験体からの細胞サンプル中の2つもしくはそれ以上の遺伝子の発現レベルを測定する工程、参照発現レベルが、本明細書で提供された方法に従って決定される、2つもしくはそれ以上の遺伝子の参照発現レベルと、測定されたレベルを比較する工程、測定されたレベルが、特定の表現型の指標である参照レベルと一致した場合、被験体を、特定の表現型を有するとして同定する工程、が含まれる。前記表現型が、疾患または障害の予後の示唆でありうる方法も提供される。

【0010】

疾患または障害の指標である1つもしくはそれ以上の細胞型における、遺伝子発現レベルを決定するための、方法、組成物、組み合わせおよびキットがまた本明細書で提供される。たとえば、本方法には、少なくとも2つのサンプルが、各細胞型の同一の相対含量を含まず、少なくとも1つのサンプルが、疾患または障害を患う患者からであり、少なくとも1つのサンプルが、疾患または障害を患っていない被験体からである、2つもしくはそれ以上の関連異種細胞サンプル中の各細胞型の相対含量を決定する工程、各サンプル中の1つもしくはそれ以上の遺伝子発現解析物の総レベルを測定する工程、疾患および非疾患両方に関しての、各細胞型の相対含量と、測定した総レベル間の回帰相関を決定する工程、および疾患および非疾患両方に関する、各細胞型中の遺伝子発現レベルが、解析物の計算したレベルに相当する、回帰相関にしたがった、疾患および非疾患両方に関する、各細胞型における、1つもしくはそれ以上の解析物の各々のレベルを計算する工程、が含まれる。他の実施例において、方法には、少なくとも2つのサンプルが、各細胞型の同一の相対含量を含まず、少なくとも1つのサンプルが、疾患または障害を患う患者からであり、少なくとも1つのサンプルが、疾患または障害を患っていない被験体からである、2つもしくはそれ以上の関連異種細胞サンプル中の各細胞型の相対含量を決定する工程、各サンプル中の2つもしくはそれ以上の遺伝子発現解析物の総レベルを測定する工程、疾患および非疾患両方に関しての、各細胞型の相対含量と、測定した総レベル間の回帰相関を決定する工程、および疾患および非疾患両方に関する、各細胞型中の遺伝子発現レベルが、解析物の計算したレベルに相当する、回帰相関にしたがった、疾患および非疾患両方に関する、各細胞型における、2つもしくはそれ以上の解析物の各々のレベルを計算する工程、が含まれる。また、被験体からの細胞サンプル中、1つもしくはそれ以上の遺伝子の発現レベルを測定する工程、参照発現レベルが、本明細書で提供された方法に従って決定される、参照発現レベルと、測定されたレベルを比較する工程、測定されたレベルが、特定の疾患または障害の指標である参照レベルと一致した場合、被験体を、特定の疾患または障害を有するとして同定する工程、によって、被験体中の疾患または障害を同定する方法も提供される。また、被験体からの細胞サンプル中、2つもしくはそれ以上の遺伝子の

発現レベルを測定する工程、参照発現レベルが、本明細書で提供された方法に従って決定される、2つもしくはそれ以上の遺伝子を参照発現レベルと、測定されたレベルを比較する工程、測定されたレベルが、特定の疾患または障害の指標である参照レベルと一致した場合、被験体を、特定の疾患または障害を有するとして同定する工程、によって、被験体中の疾患または障害を同定する方法も提供される。疾患予後を決定することを含む方法において、予後は、腫瘍再発、腫瘍の攻撃性、腫瘍の不活性さ、生存または腫瘍処置の成功の可能性でありうる。本明細書で提供される方法のいくつかの実施形態において、サンプルを、臨床的に、腫瘍ネガティブとして分類し、悪性細胞に隣接する非悪性細胞のサンプルにおける存在が、腫瘍、腫瘍再発、腫瘍の攻撃性、腫瘍の不活性さ、生存または腫瘍処置の成功の可能性の指標でありうる。

【0011】

細胞型の遺伝子発現における環境依存変化を同定するための方法、組成物、組み合わせおよびキットもまた、本明細書で提供される。たとえば、そのような方法には、少なくとも2つのサンプルが、各細胞型の同一の相対含量を含まず、異なる細胞環境中である、同様の型の細胞が、別々に分類される、2つもしくはそれ以上の関連異種細胞サンプル中の、各細胞型の相対含量を測定する工程、各サンプル中の1つもしくはそれ以上の遺伝子発現解析物の総レベルを測定する工程、各細胞分類の相対含量と、測定した総レベル間の回帰相関を決定する工程、前記回帰相関にしたがった、各細胞分類における、1つもしくはそれ以上の解析物の各々のレベルを計算する工程、および同一の型の、別々に分類された細胞中に異なった形で発現する遺伝子を同定する工程、それによって、細胞型の遺伝子発現における環境依存変化を同定する工程、が含まれうる。他の実施例において、そのような方法には、少なくとも2つのサンプルが、各細胞型の同一の相対含量を含まず、異なる細胞環境中である、同様の型の細胞が、別々に分類される、2つもしくはそれ以上の関連異種細胞サンプル中の、各細胞型の相対含量を測定する工程、各サンプル中の2つもしくはそれ以上の遺伝子発現解析物の総レベルを測定する工程、各細胞分類の相対含量と、測定した総レベル間の回帰相関を決定する工程、前記回帰相関にしたがった、各細胞分類における、1つもしくはそれ以上の解析物の各々のレベルを計算する工程、および同一の型の、別々に分類された細胞中に異なった形で発現する遺伝子を同定する工程、それによって、細胞型の遺伝子発現における環境依存変化を同定する工程、が含まれうる。細胞型の遺伝子発現における腫瘍依存変化を同定する他の方法には、少なくとも2つのサンプルが、各細胞型の同一の相対含量を含まず、腫瘍に関連した細胞が、腫瘍に関連しない同一の型の細胞から、別に分類される、2つもしくはそれ以上の関連異種細胞サンプル中の、各細胞型の相対含量を決定する工程、各サンプル中の1つもしくはそれ以上の遺伝子発現解析物の総レベルを測定する工程、各細胞分類の相対含量と、測定した総レベル間の回帰相関を決定する工程、前記回帰相関にしたがった、各細胞分類における、1つもしくはそれ以上の解析物の各々のレベルを計算する工程、および腫瘍に関連していない同一の型の細胞に対して、腫瘍に関連している細胞において異なった形で発現した遺伝子を同定する工程、が含まれる。細胞型の遺伝子発現における腫瘍依存変化を同定する他の方法には、少なくとも2つのサンプルが、各細胞型の同一の相対含量を含まず、腫瘍に関連した細胞が、腫瘍に関連しない同一の型の細胞から、別に分類される、2つもしくはそれ以上の関連異種細胞サンプル中の、各細胞型の相対含量を決定する工程、各サンプル中の2つもしくはそれ以上の遺伝子発現解析物の総レベルを測定する工程、各細胞分類の相対含量と、測定した総レベル間の回帰相関を決定する工程、前記回帰相関にしたがった、各細胞分類における、2つもしくはそれ以上の解析物の各々のレベルを計算する工程、および腫瘍に関連していない同一の型の細胞に対して、腫瘍に関連している細胞において異なった形で発現した遺伝子を同定する工程、が含まれる。

【0012】

被験体の表現型を同定するための方法、組成物、組み合わせおよびキットもまた本明細書で提供される。たとえば、方法には、被験体からの異種細胞サンプル中の1つもしくはそれ以上の遺伝子の発現レベルを測定する工程、複数の参照レベルが、2つもしくはそれ

以上の表現型の指標である、1つもしくはそれ以上の遺伝子の参照発現レベルと、測定されたレベルを比較する工程、および測定されたレベルが、特定の表現型の指標である参照レベルと一致する場合、被験体を、特定の表現型を有するとして同定する工程、が含まれる。他の実施例において、方法には、被験体からの異種細胞サンプル中の2つもしくはそれ以上の遺伝子の発現レベルを測定する工程、複数の参照レベルが、2つもしくはそれ以上の表現型の指標である、2つもしくはそれ以上の遺伝子の参照発現レベルと、測定されたレベルを比較する工程、および測定されたレベルが、特定の表現型の指標である参照レベルと一致する場合、被験体を、特定の表現型を有するとして同定する工程、が含まれる。

【0013】

本明細書で提供される方法において、全ての工程は、サンプル中の細胞を物理的に分離しないで実施可能である。さらに、本明細書で提供された方法において、回帰相関を決定する工程には、細胞比率において、各解析物の総レベルの回帰を決定することが含まれる。

【0014】

前立腺癌の指標であるか、または前立腺癌の指標ではないとして、細胞サンプルを分類するための方法、組成物、組み合わせおよびキットもまた本明細書で提供される。たとえば、方法には、参照に対して、遺伝子の発現レベルを検出することが含まれ、各々の指示遺伝子が、(a) 配列番号1～38, 826から選択されたヌクレオチド配列、またはその相補体と、少なくとも90%同一であるヌクレオチド配列、または(b) 配列番号1～38, 826から選択されたヌクレオチド配列、またはその相補体と、高ストリンジェンシー下で、ハイブリダイズするヌクレオチド配列、のいずれかを含む、前記遺伝子が、少なくとも2つの異なる指示遺伝子を含む。他の実施形態において、前立腺癌の指標であるか、または前立腺癌の指標ではないとして、細胞サンプルを分類するための方法、組成物、組み合わせおよびキットもまた本明細書で提供される。他の実施形態において、組み合わせが、参照に対して、遺伝子の発現レベルを検出する、前立腺癌の指標であるか、または前立腺の示唆でないとして、サンプルを分類するための、組成物を調製するための組み合わせの利用が提供され、前記遺伝子が、(a) 配列番号1～38, 826から選択されたヌクレオチド配列、またはその相補体と、少なくとも90%同一であるヌクレオチド配列、または(b) 配列番号1～38, 826から選択されたヌクレオチド配列、またはその相補体と、高ストリンジェンシー下で、ハイブリダイズするヌクレオチド配列、のいずれかを含む、前記遺伝子が、少なくとも2つの異なる指示遺伝子を含む。いくつかの実施形態において、配列番号1～38, 826から選択されるヌクレオチド配列は、配列番号35, 580～38, 826から選択される。

【0015】

本明細書で提供される方法、組成物、組み合わせ、使用およびキットは、参照に対して、遺伝子の発現レベルを検出するために使用可能であり、前記遺伝子は、少なくとも5、10、15、20、30、40、50、75、100、150、200、300、400、500、750、1,000、1,250、1,500、1,750、2,000、2,250、2,500、または2750指示遺伝子を含む。

【0016】

少なくとも50%、70%、80%、90%、95%、97%、98%または99%の、アレイの遺伝子座が、本明細書で提供される方法、組成物、組み合わせ、使用およびキットの、2つもしくはそれ以上の指示遺伝子の発現レベルを特異的に検出する、マイクロアレイがまた本明細書で提供される。

【0017】

前立腺癌を処置するための方法、組成物、組み合わせ、使用およびキットも本明細書で提供される。たとえば、方法には、(a) 配列番号1～38, 826から選択されたヌクレオチド配列、またはその相補体と、少なくとも90%同一であるヌクレオチド配列を含む遺伝子の産物、または(b) 配列番号1～38, 826から選択されたヌクレオチド配

列、またはその相補体と、高ストリンジェンシー下で、ハイブリダイズするヌクレオチド配列を含む遺伝子産物、からなる群より選択される遺伝子産物の活性を調節することが含まれる。いくつかの実施形態において、配列番号1～38, 826から選択されるヌクレオチド配列は、配列番号35, 580～38, 826から選択される。本明細書で提供される、方法、組成物、組み合わせ、使用およびキットにおいて、化合物は、抗体、アンチセンス化合物、リボザイム、DNAzyme、RNA干渉化合物、小分子、遺伝子をコードする異種核酸分子、遺伝子産物、およびこれらの任意の組み合わせからなる群より選択される。たとえば、調節化合物は、遺伝子をコードするmRNA、またはタンパク質遺伝子産物に特異的に結合し、それによって、遺伝子の発現を阻害する。本明細書で提供される他の方法、組成物、組み合わせ、使用およびキットにおいて、調節工程にはさらに、前立腺癌の被験体に、遺伝子をコードする異種核酸分子、遺伝子産物、およびこれらの組み合わせから選択された遺伝子産物の活性を増加させる化合物を投与することが含まれる。たとえば、異種核酸分子は、発現ベクターでありうる。

【0018】

化合物をスクリーニングするための方法、組成物、組み合わせ、使用およびキットもまた本明細書で提供される。たとえば、方法には、試験化合物と、(a)配列番号1～38, 826から選択されるヌクレオチド配列またはその相補体を含む遺伝子、および(b)配列番号1～38, 826から選択されたヌクレオチド配列、またはその相補体と、高ストリンジェンシー下で、ハイブリダイズするヌクレオチド配列を含む遺伝子、からなる群より選択される遺伝子を発現している細胞を接触させる工程、および、参照に対する発現レベルの変化が、遺伝子の発現を調節する化合物として化合物を同定する、遺伝子の発現レベルを測定する工程、が含まれる。他のスクリーニング方法には、試験化合物と、配列番号1～38, 826から選択されたヌクレオチド配列、またはその相補体と、少なくとも90%同一であるヌクレオチド配列を含む遺伝子の産物、または(b)配列番号1～38, 826から選択されたヌクレオチド配列、またはその相補体と、高ストリンジェンシー下で、ハイブリダイズするヌクレオチド配列を含む遺伝子産物、からなる群より選択される遺伝子産物を接触させる工程、および、(i)遺伝子産物に特異的に結合する試験化合物を同定することか、または(ii)遺伝子産物に結合することが知られている化合物の結合を阻害する試験化合物を同定する工程、が含まれる。いくつかの実施形態において、配列番号1～38, 826から選択されるヌクレオチド配列は、配列番号35, 580～38, 826から選択される。

【0019】

本明細書で提供される、いくつかの方法、組成物、組み合わせ、使用およびキットにおいて、少なくとも1つの遺伝子産物が、腫瘍における改変t統計値 >2.5 または <-2.5 で、プローブまたはIdentifier/LocusLinkに相当する。他に、少なくとも1つの遺伝子産物が、良性前立腺肥大(BPH)における改変t統計値 >2.5 または <-2.5 で、プローブまたはIdentifier/LocusLinkに相当する。他に、少なくとも1つの遺伝子産物が、間質における改変t統計値 >2.5 または <-2.5 で、プローブまたはIdentifier/LocusLinkに相当する。本明細書で提供されるいくつかの方法、組成物、組み合わせ、使用およびキットにて、遺伝子産物は、(a)腫瘍における改変t統計値 >2.5 または <-2.5 を有するとして、表9で同定されるプローブのヌクレオチド配列と、少なくとも90%同一である、ヌクレオチド配列を含む遺伝子産物、(b)腫瘍における改変t統計値 >2.5 または <-2.5 を有するとして、表9で同定されるIdentifierおよびLocusLinkによってコードされた遺伝子のヌクレオチド配列と、少なくとも90%同一である、ヌクレオチド配列を含む遺伝子産物、(c)間質における改変t統計値 >2.5 または <-2.5 を有するとして、表10で同定されるプローブのヌクレオチド配列と、少なくとも90%同一である、ヌクレオチド配列を含む遺伝子産物、(d)間質における改変t統計値 >2.5 または <-2.5 を有するとして、表10で同定されるIdentifierおよびLocusLinkによってコードされた遺伝子のヌクレオチド配列と、少なくとも

90%同一である、ヌクレオチド配列を含む遺伝子産物、からなる群より選択可能である。本明細書で提供されるいくつかの方法、組成物、組み合わせ、使用およびキットにおいて、 t 統計値は、 >3 または <-3 、 >3.5 または <-3.5 、 >4 または <-4 、 >4.5 または <-4.5 、または >5 または <-5 でありうる。

【0020】

(a) 配列番号1～38, 826から選択されたヌクレオチド配列、またはその相補体と、少なくとも90%同一であるヌクレオチド配列を含む遺伝子の産物、または(b) 配列番号1～38, 826から選択されたヌクレオチド配列、またはその相補体と、高ストリンジエンシー下で、ハイブリダイズするヌクレオチド配列を含む遺伝子産物、からなる群より選択された遺伝子産物の活性を調節する化合物もまた、本明細書で提供される。いくつかの実施形態において、配列番号1～38, 826から選択されるヌクレオチド配列は、配列番号35, 580～38, 826から選択される。特定の実施形態において、そのような化合物は、抗体、アンチセンス化合物、リボザイム、DNAzyme、RNA干渉化合物、小分子、遺伝子をコードする異種核酸分子、遺伝子産物、およびこれらの任意の組み合わせからなる群より選択される。本明細書で提供されたいくつかの化合物は、薬学的に受容可能な形態で存在する。

【0021】

(a) 配列番号1～38, 826から選択されたヌクレオチド配列、またはその相補体と、少なくとも90%同一であるヌクレオチド配列を含む遺伝子の産物、または(b) 配列番号1～38, 826から選択されたヌクレオチド配列、またはその相補体と、高ストリンジエンシー下で、ハイブリダイズするヌクレオチド配列を含む遺伝子産物、からなる群より選択される遺伝子産物の存在を示唆する化合物もまた、本明細書で提供される。いくつかの実施形態において、配列番号1～38, 826から選択されるヌクレオチド配列は、配列番号35, 580～38, 826から選択される。特定の実施形態において、そのような化合物は、遺伝子中、少なくとも10ヌクレオチドに特異的に結合する核酸、またはその相補体またはそのフラグメント、前記遺伝子またはその相補体に特異的に結合する抗体、および遺伝子産物に特異的に結合する抗体またはそのフラグメントからなる群より選択可能である。

【0022】

本明細書で提供される1つもしくはそれ以上の化合物の組み合わせ、または本明細書で提供される少なくとも2、3、4、5、6、7、8、9、10、15または20化合物の組み合わせも、本明細書で提供される。

【0023】

配列番号1～38, 826にて列記したような、前立腺癌に関する診断マーカーもまた、本明細書で提供される。前立腺癌を検出するための、配列番号1～38, 826に示されるマーカーを検出するのに有用な、核酸、ポリペプチドおよび／または抗体を含むキットもまた、本明細書で提供される。遺伝子発現を抑制する工程、または腫瘍マーカーとして列記されており、本明細書で提供した表、および配列番号1～38, 826で異なって発現されている、遺伝子の遺伝子産物を阻害または中和することを含む、前立腺癌を処置または予防する方法がまた、本明細書で提供される。いくつかのそのような方法において、抗体、アンチセンス、リボザイム、DNAzyme、RNA干渉および／または遺伝子または遺伝子産物を中和するための小分子治療を利用可能である。また、配列番号1～38, 826、それらの相補体、それらのフラグメント、およびそれによってコードされるポリペプチドで示された、前立腺癌における早期再発のための診断マーカーがまた本明細書で提供される。前立腺癌の早期再発を検出するための、配列番号1～38, 826、その相補体、そのフラグメントおよびコードされたポリペプチドに示されるマーカーを検出することにおいて有用な核酸、ポリペプチドおよび／または抗体を含むキットがまた、本明細書にて提供される。いくつかの実施形態において、配列番号1～38, 826から選択されるヌクレオチド配列は、配列番号35, 580～38, 826から選択される。遺伝子発現を抑制する工程、または早期再発した前立腺癌サンプルの、腫瘍上皮細胞中でア

ップレギュレートされている、遺伝子の遺伝子産物を阻害または中和することを含む、前立腺癌を処置または予防する方法がまた、本明細書で提供されており、そのような遺伝子は、表 8、表 9、表 10、表 12 または表 13 にて、 $T > 3$ を有する。いくつかのそのような方法において、抗体、アンチセンス、リボザイム、DNAzyme、RNA 干渉、および／または遺伝子または遺伝子産物を中和するための、小分子治療が利用可能である。コンピュータ利用方法もまた、本明細書で提供される。

【0024】

本明細書で提供される方法、組成物、組み合わせおよびキットの詳細が、付随している図面および以下の記載で列記されている。本発明の特徴、目的および利点が、本記載および図面、および請求項より明らかであろう。

【発明を実施するための最良の形態】

【0025】

(詳細な説明)

(定義)

他に定義しない限り、本明細書で使用された、全ての技術的および化学的語句は、本発明が属している技術分野の当業者によって一般的に理解されるのと同様の意味を有する。すべての特許、特許明細書、発行された明細書および発行物、Genbank 配列、ウェブサイト、および本明細書の全開示を通して参照される他の発行された資料は、他に言及しない限り、その全てが、参考文献によって組み込まれている。本明細書の語句に対して、複数の定義が存在する場合、本項目のものが優先される。参照が、URL または他のそのような同定物またはアドレスを指定する場合、そのような同定物を変更可能であり、インターネット上の特定の情報が行き交うが、等価の情報が、インターネットを検索することによって発見可能である。それに対する参照が、そのような情報の利用性および好適な情報を証明する。

【0026】

本明細書で使用される場合、異なる発現は、異なる進行および／または腫瘍増殖に依存して、遺伝子の発現の程度における、定量的ならびに定性的両方の差を意味する。異なった形で発現した遺伝子は、マーカー遺伝子、および／または標的遺伝子を表しうる。本明細書で開示した異なった形で発現する遺伝子の発現パターンは、被験体の予後または診断評価の一部として使用可能である。本明細書で開示した異なった形で発現する遺伝子の発現パターンを、サンプル中の特定の細胞型の存在を同定するために使用可能である。本明細書で開示された、異なった形で発現する遺伝子は、試薬および化合物を同定するための方法、およびそのような試薬および化合物の、被験体の処置ならびに処置の方法のための利用において利用可能である。

【0027】

相互互換的に利用される、本明細書での、生物学的活性、または生物活性、または活性または生物学的機能は、インビボまたはインビトロで、(その天然の、または変性したコンフォメーションいずれかでの)ポリペプチドによって、またはそれらの任意のフラグメントによって、直接的または間接的に達成される、エフェクター機能または抗原性機能を意味する。生物学的活性には、限定はしないが、ポリペプチド類への結合、他のタンパク質または分子への結合、酵素的活性、シグナル伝達、DNA結合タンパク質として、転写調節因子としての活性、傷害を受けたDNAに結合する能力、などが含まれる。生物活性は、被験体ポリペプチドに直接的に影響を与えることによって調整可能である。あるいは、生物活性は、対応する遺伝子の発現を調節することによってのような、ポリペプチドのレベルを調節することによって変更可能である。

【0028】

語句、遺伝子発現解析物は、生物学的分子、たとえば、核酸、ペプチド、ホルモンなど、その存在または濃度が、検出可能であり、遺伝子発現に関係しているものを意味する。

【0029】

本明細書で使用される場合、遺伝子発現レベルは、遺伝子から産生される、生物学的巨

大分子の量を意味する。たとえば、特定の遺伝子の発現レベルは、特定の遺伝子から産生されるタンパク質の量を意味し得、または特定の遺伝子から産生される mRNA の量を意味しうる。遺伝子発現レベルは、絶対（たとえば、モルまたはグラム量）レベル、または相対（たとえば標準、参照、校正、または他の遺伝子発現レベルと比較した量）を意味する。典型的には、本明細書で使用する遺伝子発現レベルは、相対発現レベルである。細胞含量と、発現レベル間の相関を決定することに関して、本明細書で使用される場合、遺伝子発現レベルは、当該分野で公知の、任意の遺伝子発現を記載する様式に関して、考慮可能である。たとえば、遺伝子発現レベルを考慮する回帰方法が、遺伝子発現解析物のレベルの測定、または遺伝子発現解析物のレベルの測定に従って計算または推定されたレベルを考慮可能である。

【0030】

本明細書で使用される場合、マーカー遺伝子は、発現パターンが、予想方法、予後または診断方法、または他の細胞型分別評価のような、表現型示唆方法の部分として利用可能であり、または、疾患または障害の処置または予防のために有用な化合物を同定するため、または1つもしくはそれ以上の遺伝子産物の活性を調節する化合物を同定するための方法において利用可能である。

【0031】

本明細書で使用される場合、本明細書で提供された方法によって示唆された、表現型は、診断指標、予後指標、または被験体内での、特定の細胞型の存在の指標でありうる。診断指標には、腫瘍または新生物疾患、炎症疾患、自己免疫疾患、および特定の細胞の存在または不在に従って、または細胞の遺伝子発現によって同定可能である、当該分野で公知の他の任意の疾患の存在のような被験体における疾患または障害の指標が含まれる。他の実施形態において、予後指標は、限定はしないが、被験体の生存の可能性、再発の可能性、疾患または障害の攻撃性、疾患または障害の不活性さ、および特定の治療計画の成功の可能性を含む、疾患または障害の可能性または予想される結果を意味する。

【0032】

本明細書で使用される場合、遺伝子発現解析物は、特定の遺伝子の発現を示唆する生物学的分子を意味する。たとえば、遺伝子発現解析物は、特定の遺伝子の mRNA、または（たとえば mRNA スプライシングの副産物および核酸分解切断フラグメントを含む）そのフラグメント、特定の遺伝子のタンパク質または（たとえば、翻訳後修飾タンパク質またはそれからの副産物、およびタンパク質分解フラグメントを含む）そのフラグメント、およびその存在または不在が、特定の遺伝子の発現に相当する、炭水化物、脂質または小分子のような他の生物学的分子でありうる。

【0033】

本明細書で使用される場合、遺伝子発現解析物のレベルに相当する遺伝子発現レベルは、遺伝子の発現を示唆する解析物と、遺伝子の発現の実際のレベル間の相互関係を意味する。典型的には、遺伝子発現解析物のレベルは、遺伝子発現レベルを決定するために使用する実験方法にて測定される。当業者によって理解されるように、測定された遺伝子発現レベルは、種々のレベルの詳細（たとえば、発現した遺伝子の絶対量、発現した遺伝子の相対量、または発現のレベルの増加または減少の指標）にて、遺伝子発現を表しうる。遺伝子発現解析物のレベルが、遺伝子発現のレベルを示唆可能である詳細のレベルは、使用したコントロールの数、校正実験の数、または決定した参照レベル、および当該分野で公知の他の要因を含む種々の要因に基づきうる。本明細書で提供されるいくつかの方法において、遺伝子発現解析物のレベルの増加が、発現した遺伝子のレベルにおける増加を示唆可能であり、遺伝子発現解析物のレベルにおける減少が、発現した遺伝子のレベルにおける減少を示唆可能である。

【0034】

本明細書で使用される場合、細胞型の相対含量と、遺伝子発現解析物の測定した総レベル間の、回帰相関は、2つもしくはそれ以上のサンプル中に存在する細胞型の量に基づいて、本明細書で提供された方法に従って決定される、遺伝子発現解析物の細胞型とレベル

、および遺伝子発現解析物の実験的に測定されたレベル間の定量的相関を意味する。1つの実施形態において、回帰相関は、決定した細胞割合における、各遺伝子発現解析物の総レベルの回帰を決定することによって決定される。1つの実施形態において、回帰相関は、直線回帰によって決定され、ここで、総発現レベルまたは発現解析物レベルが、順に各細胞型に関して、またはいっぺんに全てに関して、いずれかのために、細胞割合に直接比例して（たとえばこれらと直線で）のように処理され、これらの直線相関の傾きが、ベータ値として表されうる。

【0035】

本明細書で使用される場合、異種サンプルは、1つより多い細胞型を含むサンプルを意味する。たとえば、異種サンプルは、間質細胞および腫瘍細胞を含みうる。典型的には、本明細書で使用される場合、サンプル中に存在する異なる細胞型は、約0.1%、0.2%、0.3%、0.5%、0.7%、1%、2%、3%、4%または5%超、または0.1%、0.2%、0.3%、0.5%、0.7%、1%、2%、3%、4%または5%超で存在する。当該分野で理解されるように、被験体からの組織サンプルのような、細胞サンプルは、微小な量の、種々の細胞型を含みうる（たとえば、神経、血液、血管細胞）。しかしながら、約0.1%、0.2%、0.3%、0.5%、0.7%、1%、2%、3%、4%または5%超、または0.1%、0.2%、0.3%、0.5%、0.7%、1%、2%、3%、4%または5%超の量で、サンプル中に存在しない細胞型は、典型的には、本明細書で使用されるところの、異種細胞サンプルの成分とは、典型的には考慮されない。

【0036】

本明細書で使用される場合、関連細胞サンプルは、一般的に1つもしくはそれ以上の細胞型を含むサンプルを意味する。関連細胞サンプルは、同一の組織型から、または同一の器官からのサンプルでありうる。関連細胞サンプルは、同一または異なる供給源（たとえば、同一または異なる個体または細胞培養液、またはそれらの組み合わせ）からでありうる。本明細書で提供するように、3つもしくはそれ以上の異なる細胞サンプルの場合、全てのサンプルが共通の細胞型を含むことは必要ではないが、もし第一サンプルが、他のサンプル中に存在する任意の細胞型を含まない場合、第一サンプルは、他のサンプルに関連しない。

【0037】

本明細書で使用される場合、腫瘍細胞は、種々の型の癌としての診断のために十分であるような、当該分野の病理学者に公知の、核および細胞質特徴および細胞-細胞関連のパターンからなる、細胞学的小および接着特性を有する細胞を意味する。いくつかの実施形態において、腫瘍細胞は、新生物増殖特性のような、異常な増殖特性を有する。

【0038】

本明細書で使用される場合、腫瘍に関連した細胞は、悪性である必要はないが、腫瘍組織または器官、または組織または器官の特定の場所に存在し、正常な組織または器官中、またとりわけ組織または器官の場所に、存在しないか、わずかしかな存在しない、細胞を意味する。

【0039】

本明細書で使用される場合、良性前立腺肥大（BPH）細胞は、肥大前立腺の上皮内層の細胞を意味する。

【0040】

本明細書で使用される場合、膨張嚢胞状腺管細胞は、膨張した（萎縮性）嚢胞状前立腺の上皮内層の細胞を意味する。

【0041】

本明細書で使用される場合、間質細胞は、器官の間質を形成する、結合組織細胞と、平滑筋細胞の組み合わせを意味する。例示的な間質細胞は、前立腺の間質の細胞である。

【0042】

本明細書で使用される場合、参照は、1つもしくはそれ以上の変数に対する、値または

関連した値のセットを意味する。1つの実施例において、参照遺伝子発現レベルは、特定の細胞型における遺伝子発現レベルを意味する。参照発現レベルは、本明細書で提供される方法に従って、または均質なサンプル中の細胞型の遺伝子発現レベルを決定することによって、決定可能である。参照レベルは、当該分野で公知のように、絶対量または相対量でありうる。特定の実施形態において、参照発現レベルは、特定の細胞型の存在の指標であり得る。たとえば、特定の実施形態において、ただ1つの特定の細胞型が、高いレベルの特定の遺伝子の発現を持ち得、したがって、測定した発現レベルが高い細胞型の観察が、その特定の細胞型の発現レベルに一致し得、それによって、サンプル中のその特定の細胞型の存在を示唆する。他の実施形態において、参照発現レベルは、特定の細胞型の不在の指標であり得る。本明細書で提供されるように、2つもしくはそれ以上の参照を、特定の細胞型がサンプル中に存在するかどうかを決定することにおいて考慮可能であり、また、サンプル中に存在する特定の細胞型の相対量を決定することにおいて考慮可能である。

【0043】

本明細書で使用される場合、改変t統計値は、サンプル中の特定の細胞型の存在または不在を示唆するために、特定の遺伝子産物またはその示唆物の能力の数的な提示である。適合度およびエフェクトサイズを組み込んだ改変t統計値を、公知の方法（たとえば、Tusher (Proc. Natl. Acad. Sci. USA 98, 5116-5121, 2001)）に従って公式化可能であり、ここで以下のように、 $\sigma\beta$ は、係数の標準誤差であり、kは小定数である：

【0044】

【数1】

$$t = \beta / (k + \sigma\beta)$$

本明細書で使用される場合、細胞型または細胞割合の相対含量は、特定の細胞型によって占められている細胞混合液の量を意味する。典型的には、異種細胞混合液は、2つもしくはそれ以上の細胞型を含み、したがって、単一の細胞型が、混合液の100%を構成しない。相対含量は、当該分野で公知の種々の形態の任意で表示可能であり、たとえば、相対含量は、混合液中の細胞の総量のパーセンテージとして表すことができ、または特定の細胞型の量に対して相対的に表すことができる。本明細書で使用される場合、パーセント細胞またはパーセント細胞組成は、組織をサンプリングする顕微鏡切片のような、異種細胞混合液中で、特定の細胞型が割合を占める、全ての細胞の割合である。

【0045】

アレイまたはマトリックスによって、器具上のアドレス可能な場所またはアドレスのアレンジメントを意味する。場所は、二次元アレイ、三次元アレイ、または他のマトリックス形式にてアレンジ可能である。場所の数は、数個から少なくとも数十万までの範囲であり得る。もっとも重要なことに、各場所は、完全に独立した反応部位を表す。アレイには、限定はしないが、核酸アレイ、タンパク質アレイおよび抗体アレイが含まれる。核酸アレイは、オリゴヌクレオチド、ポリヌクレオチドまたはより大きな遺伝子部分のような、核酸プローブを含むアレイを意味する。アレイ上の核酸は一本鎖であり得る。プローブがオリゴヌクレオチドであるアレイは、オリゴヌクレオチドアレイまたはオリゴヌクレオチドチップと呼ばれる。本明細書でまた、バイオチップまたは生物学的チップとも呼ばれるマイクロアレイは、少なくとも約100/cm²の個別の領域の密度を有する領域のアレイであり、少なくとも約1000/cm²であり得る。マイクロアレイ中の領域は、典型的な寸法を持ち、例えば、約10～250μmの範囲の直径を持ち、およそ同一の距離によって、アレイ中の他の領域から分離されている。タンパク質アレイは、天然の形態または変性されうる、ポリペプチドプローブまたはタンパク質プローブを含むアレイを意味する。抗体アレイは、限定はしないが、モノクローナル抗体（たとえばマウスから）、キメラ抗体、ヒト化抗体またはファージ抗体、および一本鎖抗体、ならびに抗体からのフラグメントを含む、抗体を含むアレイを意味する。

【0046】

本明細書で使用される場合、語句アゴニストは、タンパク質の生物活性をまねするか、またはアップレギュレートする（たとえば、増強するまたは補強する）試薬を表すことが意味される。アゴニストは、野生型タンパク質の少なくとも1つの生物活性を有する、野生型タンパク質またはその誘導体であり得る。アゴニストはまた、遺伝子の発現をアップレギュレートするか、タンパク質の少なくとも1つの生物活性を増加させる、化合物でありうる。アゴニストはまた、他の分子、たとえば標的ペプチドまたは核酸との、ポリペプチドの相互作用を増加させる化合物でもあり得る。

【0047】

本明細書で使用される場合、ポリヌクレオチドまたは核酸分子は、任意の長さの、リボヌクレオチドまたはデオキシリボヌクレオチドいずれかのヌクレオチドの重合体形態である。本語句は、分子の一次構造のみを意味する。したがって、本語句には、二本鎖および一本鎖DNAおよびRNAが含まれる。また、公知の型の改変、たとえば、当該分野で公知の標識、メチル化、キャップ、1つもしくはそれ以上の天然に存在するヌクレオチドの類似体での置換、たとえば、（たとえばホスホチオエート、ホスホロージチオエートなどのような）末荷電結合を有するもの、（たとえば、ヌクレアーゼ、毒素、抗体、シグナルペプチド、ポリ-L-リシンなどを含む）たとえばタンパク質のような、ペンダント部位を含むもの、（たとえば、アクリジン、プソラレンなどのような）インターカレーターを有するもの、（たとえば金属、放射活性金属など）キレーターを含むもの、アルキレーターを含むもの、（たとえばアルファ芳香族核酸など）改変結合をもつもの、（たとえばペプチド核酸のような）ヌクレオチド類似体を含むもののような、ヌクレオチド間改変、ならびに、ポリヌクレオチドの未改変形態も含まれる。

【0048】

本明細書で使用される場合、指定された配列に由来するポリヌクレオチドは、指定されたヌクレオチド配列の領域に相当する、およそ、少なくとも約6ヌクレオチド、少なくとも約8ヌクレオチド、少なくとも約10～12ヌクレオチド、または少なくとも約15～20ヌクレオチドの配列からなる、ポリヌクレオチド配列を意味する。相当するポリヌクレオチドは、指定された配列に相同的であるか、相補的である。典型的には、ポリヌクレオチドが由来する領域の配列は、本明細書で提供される遺伝子に対して固有である配列に、相同的であるか、相補的である。

【0049】

組換え体タンパク質は、組換え体技術を用いて、すなわち、以上で描写したような組換え体核酸の発現を介して、作製されるタンパク質である。組換え体タンパク質は、少なくとも1つもしくはそれ以上の特徴により、天然に存在するタンパク質から区別される。たとえば、タンパク質は、その野生型宿主内で、通常関連するタンパク質および化合物のいくつか、または全てから単離されるか、精製され得、したがって、実質的に純粋でありうる。たとえば、単離タンパク質は、その天然の状態で、所与のサンプル中の総タンパク質の、少なくとも約0.5重量%、または少なくとも約5重量%をなす、通常関連する物質の少なくともいくつかによって付随されない。本質的に純粋なタンパク質は、全タンパク質の、少なくとも50～75重量%、少なくとも約80%、または少なくとも約90%を構成する。本定義には、異なる有機体または宿主細胞中の、1つの有機体からのタンパク質の産生が含まれる。あるいは、タンパク質は、通常見られるよりも有意に高い濃度で、増加濃度レベルでタンパク質が産生されるように、誘導可能プロモーターまたは高発現プロモーターの利用を介して、作製しうる。あるいは、タンパク質は、以下で議論するように、エピトープタグの添加、またはアミノ酸置換、挿入および欠損のように、天然に通常見られるものではない形態で、存在しうる。

【0050】

本明細書で使用される場合、疾患または障害は、たとえば、感染または遺伝的欠損の結果である、および同定可能な症状によって特性化される、有機体内の病的状態を意味する。

【0051】

任意の2つの核酸分子が、少なくとも、たとえば80%、85%、90%、95%、96%、97%、98%または99%同一であるヌクレオチド配列を有するかどうかを、たとえば、Pearson et al. (1988) Proc. Natl. Acad. Sci. USA 85:2444でのようなデフォルトパラメータを用いて、FASTAプログラムのような公知のコンピュータアルゴリズムを用いて決定可能である（他のプログラムには、GCGプログラムパッケージ（Devereux, J., et al., Nucleic Acids Research 12(1):387(1984)）、BLASTP、BLASTN、FASTA（Atschul, S. F., et al., J. Molec Biol 215:403(1990); Guide to Huge Computers, Martin J. Bishop, ed., Academic Press, San Diego, 1994, およびCarillo et al., (1988) SIAM J Applied Math 48:1073が含まれ得る）。たとえば、National Center for Biotechnology InformationデータベースのBLAST関数を利用して、同一性を決定可能である。その他市販されているか、公的に利用可能であるプログラムには、DNASTar MegAlignプログラム（Madison, Wis.）およびUniversity of Wisconsin Genetics Computer Group（UWG）Gapプログラム（Madison, Wis.）が含まれる。タンパク質および／または核酸分子のパーセント相同性または同一性は、たとえば、GAPコンピュータプログラム（たとえば、Needleman et al., (1970) J. Mol. Biol. 48:443、Smith and Waterman ((1981) Adv. Appl. Math. 2:482によって変更）を用いて、配列情報を比較することによって、決定可能である。簡単に記すと、GAPプログラムは、類似性を、2つの配列のより短い方の記号の総数で割った、同様である整列させた記号（すなわちヌクレオチドまたはアミノ酸）の数として定義する。GAPプログラムのデフォルトパラメータには、（1）Schwartz and Dayhoff, eds., ATLAS OF PROTEIN SEQUENCE AND STRUCTURE, National Biomedical Research Foundation, pp. 353-358 (1979)によって記載されたような、（同一なものに対して1、非同なものに対して0の値を含む）単項比較行列、およびGribskov et al. (1986) Nucl. Acids Res. 14:6745の比重比較マトリックス、（2）各ギャップに対する3.0のペナルティーと、各ギャップ内の各記号に対する、さらなる0.10ペナルティー、および（3）末端ギャップに対するペナルティーなし、が含まれうる。したがって、本明細書で使用される場合、語句同一性は、試験および参照ポリペプチドまたはポリヌクレオチド間の比較を表している。

【0052】

本明細書で使用される場合、語句少なくとも90%同一は、参照ポリペプチドに対して、90～100パーセント同一性を意味する。90%もしくはそれ以上のレベルでの同一性は、例示のために仮定すると、100アミノ酸長の試験ポリヌクレオチドおよび参照ポリヌクレオチドを比較したとき、試験ポリペプチド中の10%以下（すなわち100のうち10）のアミノ酸が、参照ポリペプチドのものと異なるという事実の指標である。同様な比較を、試験および参照ポリヌクレオチド間で実施可能である。そのような差異は、アミノ酸配列の全長にわたって無作為に分散した点変異として表され、または最大許容可能な、たとえば、10/100アミノ酸差違（およそ90%同一性）までの種々の長さの1つもしくはそれ以上の場所中でクラスター化されうる。差違は、核酸またはアミノ酸置換、または欠損として定義される。約85～90%超の相同性または同一性のレベルにおいて、結果は、プログラムおよびギャップパラメーターセットに依存しないべきであり、そのような高レベルの同一性は、しばしばソフトウェアに依存せずに、簡単に評価可能である。

【0053】

本明細書で使用される場合、プライマーは、プライマー伸長産物の合成が開始される、2つもしくはそれ以上のデオキシリボヌクレオチドまたはリボヌクレオチド、典型的には4以上を含む、オリゴヌクレオチドを意味する。合成のために実施可能な例示条件には、ヌクレオシド三リン酸の存在、およびDNAポリメラーゼのような、重合化および伸長のための試薬、および好適な緩衝液、温度およびpHが含まれる。

【0054】

本明細書で使用される場合、動物には、限定はしないが、ヤギ、ウシ、シカ、ヒツジ、齧歯類、ブタおよびヒトのような、任意の動物が含まれる。非ヒト動物は、意図された動物として、ヒトを除く。本明細書で提供されるSPは、任意の供給源、動物、植物、原核生物および真菌からである。

【0055】

本明細書で使用される場合、遺伝子治療には、そのような治療が考えられる、疾患または障害を患う、哺乳動物、とりわけヒトの、特定の細胞、標的細胞内への、DNAのような異種核酸の伝達が含まれる。DNAのような核酸が、DNAのような異種核酸が発現し、それによってコードされた治療産物が産生されるような様式で、選択された標的細胞内に導入される。あるいは、DNAのような異種核酸は、いくつかの様式で、治療産物をコードするDNAの発現を仲介し、またはいくつかの様式で、治療的産物の発現を直接的または間接的に仲介する、ペプチドまたはRNAのような産物をコード可能である。遺伝子治療はまた、不完全な遺伝子を置換するかまたはそれらが導入された哺乳動物または細胞によって産生される遺伝子産物を補充する、遺伝子産物をコードする核酸を伝達するために利用可能でもある。導入された核酸は、通常哺乳動物宿主にて産生されないか、または治療的に有効量または治療的に有用な時間にて産生されない、その成長因子阻害剤のような治療的化合物、それに対するレセプターのような腫瘍壊死因子またはその阻害剤をコード可能である。治療的産物をコードする、DNAのような異種核酸は、産物またはその発現を増強する、または変化させるために、罹患している宿主の細胞内への導入の前に改変可能である。遺伝子治療はまた、遺伝子発現の阻害剤または抑制剤、または他の調製物の送達を含む。

【0056】

本明細書で使用される場合、異種核酸は、転写、翻訳、または他の調節可能な生化学工程に影響を与えることによって、発現している細胞によって、インビボでは、通常産生されない、RNAまたはRNAとタンパク質をコードするか、またはDNAのような外来核酸の発現を変更するメディエーターを仲介するか、またはコードする、核酸である。DNAのような異種核酸はまた、DNAのような、外来核酸としても言及可能である。当業者が、発現している細胞に対して、異種または外来であると認識するか、または判断する、DNAのような任意の核酸が、異種核酸によって含まれ、異種核酸には、内因的にも発現される、外来的に加えられた核酸が含まれる。異種核酸の例には、限定はしないが、薬物耐性を与えるタンパク質のような、トレース可能マーカータンパク質をコードする核酸、抗癌試薬のような、治療的に効果的な基質をコードする核酸、酵素およびホルモン、および抗体のような、他の型のタンパク質をコードする、DNAのような核酸が含まれる。異種核酸によってコードされた抗体は、分泌させるか、異種核酸が導入された細胞の表面上に発現可能である。異種核酸は一般的に、それが導入された細胞に対して、内因性ではないが、他の細胞から得るか、または合成的に調製される。一般的に、必要ではないけれども、そのような核酸は、通常、今発現されている細胞によって産生されないRNAおよびタンパク質をコードする。

【0057】

本明細書で使用される場合、遺伝子治療のために、治療的に効果的な産物は、宿主内への核酸の導入に際して、産物が、後天性または先天性疾患の症状、発現を緩和するか、または排除する、または疾患を治癒させるように発現する、異種核酸、典型的にDNAによってコードされる産物である。RNAおよびアンチセンスのような、生物学的に活性な

核酸分子も含まれる。

【0058】

本明細書で使用される場合、疾患または障害処置または化合物は、単独または他の処置または化合物と組み合わせで使用する場合に、臨床的症状または疾患または障害に関連した診断マーカーを緩和する、減少させる、改善する、防止する、または回復の状態におくかまたは維持可能である、任意の治療レジメおよび／または試薬を意味する。

【0059】

本明細書で使用される場合、核酸には、DNA、RNA、およびペプチド核酸（PNA）を含むそのアナログ、およびこれらの混合物が含まれる。核酸は、一本鎖または二本鎖でありうる。任意に、蛍光または放射活性標識のような、検出可能なラベルで、標識化された、プローブまたはプライマーを意味する場合、一本鎖分子が企図される。そのような分子は、典型的には、その標的が、統計学的に固有であるような長さの、またはライブラリーをプローブ化またはプライマー化するために低いコピー数（典型的には5以下、一般的には3以下）のものである。一般的に、プローブまたはプライマーは、目的の遺伝子に相補的、または同一である配列の、少なくとも14、16または30連続を含む。プローブおよびプライマーは、10、20、30、50、100もしくはそれ以上の核酸長である。

【0060】

本明細書で使用される場合、異種核酸の、プロモーター、エンハンサー、転写および翻訳終止部位、および他のシグナル配列のような、ヌクレオチドの調節およびエフェクター配列への、作動可能な結合は、DNAのようなそのような核酸と、そのようなヌクレオチドの配列間の相互作用を意味する。したがって、作動可能に結合した、または作動可能に連結したは、DNAのような核酸の、プロモーター、エンハンサー、転写および翻訳終止部位、および他のシグナル配列のような、ヌクレオチドの調節およびエフェクター配列との機能的相互作用を意味する。たとえば、DNAの、プロモーターへの作動可能な連結は、そのようなDNAの転写が、DNAを特異的に認識し、結合し、そして転写するRNAポリメラーゼによって、プロモーターより開始されるような、DNAとプロモーター間の、物理的および機能的相互作用を意味する。発現および／またはインビトロ転写を最適化するために、余計な、潜在的に好ましくない他の転写開始（すなわち開始）コドン、または転写または翻訳のレベルいずれかで、発現を干渉するか、または減少させる他の配列を削除するために、クローンの5' 非翻訳部分を除去、添加または変化させる必要がありうる。あるいは、コンセンサス リボソーム結合部位（たとえば、Kozak J. Biol. Chem. 266:19867-19870 (1991)を参照のこと）を、開始コドンのすぐ5'側に挿入可能であり、発現を増強可能である。そのような改変の望ましさ（または必要性）を、経験的に決定可能である。

【0061】

本明細書で使用される場合、アンチセンスオリゴヌクレオチドに関して、RNAの少なくとも一部分に相補的な配列は、一般的に、穏やか、または高いストリンジエンシー条件下で、前記RNAとハイブリッド形成可能なほど十分な相補性を持ち、安定二本鎖を形成する配列を意味し、二本鎖アンチセンス核酸の場合、二本鎖DNA（またはdsRNA）の一本鎖がしたがって、試験されるか、または三本鎖形成がアッセイ可能である。ハイブリダイズする能力は、アンチセンス核酸の相補性および長さの程度に依存する。一般的に、ハイブリッドしている核酸が長ければ長いほど、RNAをコードする遺伝子内により多くのミスマッチが含まれ得、それでもなお、安定な二本鎖（または可能な場合、三本鎖）を形成可能である。当業者は、ハイブリッド形成した複合体の融解点を決定するために、標準の手順を用いることによって、許容され得るミスマッチの程度を確定可能である。

【0062】

本明細書で使用される場合、アンチセンスポリヌクレオチドは、mRNAまたは二本鎖DNAのセンス鎖に相補的なヌクレオチド塩基の合成配列を意味する。適切な条件下での、センスおよびアンチセンスポリヌクレオチドの混合によって、2つの分子の結合または

ハイブリッド形成が導かれる。これらのポリヌクレオチドが、mRNAに結合（ハイブリッド形成）した場合、タンパク質合成（翻訳）の阻害がおこる。これらのポリヌクレオチドが、二本鎖DNAに結合した場合、RNA合成（転写）の阻害がおこる。得られた翻訳および／または転写の阻害によって、センス鎖によってコードされたタンパク質の合成の阻害が導かれる。アンチセンス核酸分子は典型的に、標的核酸に特異的に結合するのに十分な数のヌクレオチド、一般的に少なくとも5連続ヌクレオチド、しばしば、目的の遺伝子をコードする核酸分子のコード部位に相補的な、少なくとも14または16または30連続ヌクレオチド、または改変ヌクレオチドを含む。

【0063】

本明細書で使用される場合、抗体は、その抗体の特異的結合能力を維持した任意の誘導体を含む、天然の、または部分的または全体が合成的に産生された、免疫グロブリンを意味する。したがって、抗体には、免疫グロブリン結合ドメインに相同の、または本質的に相同の、結合ドメインを有する任意のタンパク質が含まれる。抗体には、限定はしないが、IgG、IgM、IgA、IgD、IgYおよびIgEを含む、任意の免疫グロブリン群のメンバーが含まれる。

【0064】

本明細書で使用される場合、抗体フラグメントは、少なくとも全長抗体の特異的結合能力の一部分を維持する、全長より短い抗体の任意の誘導体を意味する。抗体フラグメントの例には、限定はしないが、Fab、Fab'、F(ab)₂、一本鎖Fv（scFV）、FV、dsFVダイアボディおよびFdフラグメントが含まれる。フラグメントには、ジスルフィド架橋によってのような、一緒に連結した多重鎖が含まれうる。抗体フラグメントには一般的に、少なくとも約50のアミノ酸、および典型的に少なくとも200のアミノ酸が含まれる。

【0065】

本明細書で使用される場合、Fv抗体フラグメントは、非共有結合によって連結した、1つの可変重ドメイン（V_H）と、1つの可変軽ドメインからなる。

【0066】

本明細書で使用される場合、dsFVは、V_H－V_L対を安定化させる、操作分子内ジスルフィド結合を有するFvを意味する。

【0067】

本明細書で使用される場合、F(ab)₂フラグメントは、pH4.0～4.5における、ペプシンでの免疫グロブリンの消化に起因する抗体フラグメントであり、組換え的に発現させて、等価フラグメントを産生可能である。

【0068】

本明細書で使用される場合、Fabフラグメントは、パパインでの免疫グロブリンの消化に起因する抗体フラグメントであり、組換え的に発現させて、等価フラグメントを産生可能である。

【0069】

本明細書で使用される場合、scFvは、任意の順番で、ポリペプチドリinkerによって共有的に結合した、可変軽鎖（V_L）と、可変重鎖（V_H）を含む抗体フラグメントである。リンカーは、2つの可変ドメインが、基本的な干渉なしに、架橋されるような長さのものである。含まれるリンカーには、可溶性を増加するために、全般にわたっていくつかの GluまたはLys残基が分散した、（Gly－Ser）_n残基である。

【0070】

本明細書で使用される場合、ヒト化抗体は、ヒトへの投与が免疫応答を起こさないように、アミノ酸のヒト配列を含むように改変された抗体である。そのような抗体の調製の方法は公知である。たとえば、そのような抗体を産生するために、モノクローナル抗体を発現する、ハイブリドーマ、または大腸菌（E. coli）またはCHO細胞のような他の真核または原核細胞中のコード核酸を、組換え体核酸技術によって変更して、非可変領域のアミノ酸組成が、ヒト抗体に基づく抗体を発現させる。コンピュータプログラムが、そ

のような非可変領域を同定するために設計されてきている。

【0071】

本明細書で使用される場合、ダイアボディは、二量体 s c F V であり、ダイアボディは典型的に、s c F v よりも短いペプチドリンカーを持ち、一般的に二量体化する。

【0072】

本明細書で使用される場合、組換え体 D N A 法を用いることによる、組換え法による産生は、クローン化 D N A によってコードされたタンパク質を発現するための、分子生物学の周知の方法の利用を意味する。

【0073】

本明細書で使用される場合、特定の疾患を処置するための、有効量の化合物は、疾患に関連した症状を緩和する、またはいくつかの様式で減少させるのに十分である量である。そのような量を、単一投与用量で投与可能であり、レジメに従って投与可能であり、それによって効果的である。本量は、疾患を治癒可能であるが、典型的には、疾患の症状を緩和するために投与される。反復投与が、症状の望む緩和を達成するために必要とされうる。

【0074】

本明細書で使用される場合、遺伝子産物の活性を調節する化合物は、タンパク質の活性を減少、または増加、または変更し、またはいくつかの様式にて、細胞内の核酸を発現をアップレギュレートまたはダウンレギュレートするか、または変更する。

【0075】

本明細書で使用される場合、薬学的に受容可能な塩、エステル、または結合体の他の誘導体には、そのような誘導化のために公知の方法を用いて、当業者によって簡単に調製可能な、そして、基本的な毒性効果を持たずに、動物またはヒトに投与可能である化合物を産生する、そして薬理学的に活性であるか、プロドラッグいずれかである、任意の塩、エステルまたは誘導体が含まれる。

【0076】

本明細書で使用される場合、本明細書で提供されたスクリーニング方法によって同定される薬物または化合物は、治療的として、または治療的な設計のためのリード化合物として利用するための候補物である、任意の化合物を意味する。そのような化合物は、小有機化合物、ペプチド、ペプチドミメティック、R N A i のようなアンチセンス分子または d s R N A、抗体、抗体のフラグメント、組換え体抗体、および薬物候補物またはリード化合物として利用可能な他の化合物を含む、小分子でありうる。

【0077】

本明細書で使用される場合、被験体内で悪性細胞に隣接した非悪性細胞は、正常の形態を有する（例えば、病理学者、細胞ソーターまたは他の細胞分類方法によって、新生物または悪性とは分類されない）が、一方で、細胞が被験体の管中に存在し、細胞が、悪性細胞または悪性細胞類に隣接している、細胞を意味する。本明細書で使用される場合、悪性細胞または悪性細胞類に隣接する、特定の型（たとえば間質）の細胞は、悪性細胞または悪性細胞類に隣接しない、同様の型の細胞とは異なる発現パターンを提示可能である。本明細書で提供される方法に従って、悪性細胞に隣接する細胞を、その差示的な遺伝子発現に従って、非悪性細胞に隣接する同様の型の細胞から区別可能である。細胞の局所に関して本明細書で使用される場合、隣接は、第一細胞が、第二細胞の遺伝子発現に影響を与えるように、第一細胞および第二細胞が、十分近接していることを意味する。たとえば、隣接細胞は、互いに直接接触する細胞を含みえ、隣接細胞には、それぞれ、500ミクロン、300ミクロン、200ミクロン、100ミクロンまたは50ミクロン内の細胞が含まれる。

【0078】

本明細書で使用される場合、腫瘍は、悪性細胞の集団を意味する。細胞に適用する悪性は、制御されない様式で、増殖する細胞を意味する。いくつかの実施形態において、悪性細胞は未分化でありうる。いくつかの実施形態において、悪性細胞は、転移可能であり得

る。

【0079】

本明細書で使用される場合、パーセンテージミスマッチを決定することにおける、ハイブリッド形成のストリンジェンシーは以下のとおりである：

- 1) 高いストリンジェンシー：0.1×SSPE、0.1% SDS、65℃
- 2) 中程度のストリンジェンシー：0.2×SSPE、0.1% SDS、50℃
- 3) 低いストリンジェンシー：1.0×SSPE、0.1% SDS、50℃。

【0080】

本明細書で使用される場合、ベクター（またはプラスミド）は、その発現または複製いずれかのために、細胞内に、異種核酸を導入するために使用する別の要素を意味する。ベクターは典型的に、エピソーム性のままであるが、遺伝子またはその部分の、ゲノムの染色体内への組み込みに影響を与えるように設計可能である。酵母人工染色体および哺乳動物人工染色体のような、人工染色体であるベクターも企図される。そのようなビヒクルの選択および利用は、当業者によく知られている。発現ベクターには、そのようなDNAフラグメントの発現に影響を与えうる、プロモーター領域のような、調節配列と作動可能に連結する、DNAを発現可能なベクターが含まれる。したがって、発現ベクターは、プラスミド、ファージ、組換え体ウイルス、または適切な宿主細胞への導入に際し、クローン化されたDNAの発現となる、他のベクターのような、組換え体DNAまたはRNA構造物を意味する。適切な発現ベクターは、当業者に周知であり、原核細胞および／または真核細胞中で複製可能であるもの、およびエピソーム性のままであるもの、または宿主細胞ゲノム内に組み込まれるもの、が含まれる。

【0081】

本明細書で使用される場合、疾患予後は、疾患の可能性ある結果の、または疾患からの結果である可能性ある結果の予想を意味する。疾患予後の非限定的な例には、疾患の可能性ある再発、疾患の可能性ある攻撃性、疾患の可能性ある不活性さ、被験体の生存の可能性、疾患を処置する成功の可能性、特定の治療計画が、他の治療計画より効果的である可能性がある条件、およびこれらの組み合わせが含まれる。

【0082】

本明細書で使用される場合、腫瘍または悪性細胞の攻撃性は、1つもしくはそれ以上の細胞の、本来の組織または器官から、体内の位置へ到達する、体の他の部分に到達する、および多重化する能力を意味する。実験的に、攻撃性は、限定はしないが、被験体の診断後生存、腫瘍の再発および腫瘍の転移を含む、1つもしくはそれ以上の様式で記載可能である。したがって、本明細書で提供された開示において、生存、再発、非再発、転移の時間、または非転移に対する時間の指標であるデータが、腫瘍または悪性細胞の攻撃性の指標である。生存を考慮する場合、当業者は、攻撃性が、被験体の生存時間の長さに反比例することを認識するであろう。転移に関する時間を考慮する場合、当業者は攻撃性が、被験体の生存の時間の長さに直接比例することを認識するであろう。本明細書で使用される場合、不活性さは、腫瘍または悪性細胞の非攻撃性を意味し、したがって、腫瘍または細胞が攻撃性であればあるほど、不活性さは低く、逆も成り立つ。本来の組織または器官からはなれて、体の部分に到達する細胞の例として、悪性前立腺細胞が、前立腺外の位置に到達可能であり、したがって、攻撃性悪性細胞の1つの特徴を有する。細胞の接着は、たとえば、被験体のリンパ節または骨髄、または当該分野で公知の部位上でありうる。

【0083】

本明細書で使用される場合、組み合わせは、2つもしくはそれ以上の要素の間の任意の会合を意味する。

【0084】

本明細書で使用される場合、組成物は、任意の混合物を意味する。これは、溶液、懸濁液、液体、粉末、ペースト、水溶液、非水溶液、または任意のこれらの混合物を意味する。

【0085】

本明細書で使用される場合、流体は、流れうる任意の組成物を意味する。流体はしたがって、半固体、ペースト、溶液、水性混合液、ゲル、ローション、クリームおよび他のそのような組成物の形態である組成物を含む。

【0086】

開示を明確にするために、しかし制限ではなく、詳細な記載は、以下の次項目にわけられる。

【0087】

(遺伝子発現の細胞型関連パターン)

一次組織は、多く（たとえば2もしくはそれ以上）の型の細胞からなる。他の方法にて、組織内に存在する特定の細胞型内で発現した遺伝子の同定は、その細胞型の物理的分離および細胞型の続くアッセイを必要としうる。レーザー・キャプチャー・顕微解剖、遠心、FACSなどのような方法によって、型に従って細胞を物理的に分離することが可能であるが、時間および費用がかかり、特定の実施形態において、実施することが实际的ではない。一次組織、または複数の細胞型を含む他の標本の公知の発現プロファイリングアッセイ（RNAまたはタンパク質いずれか）は、（1）複数の細胞型が存在することを考慮にいれないか、または（2）アッセイを実施する前に、成分細胞型を物理的に分離するか、いずれかである。他の解析は、複数の細胞型の存在を考慮せずに、実施されており、それによって、サンプル中に存在する種々の細胞型の相対割合におけるシフトの指標であるマーカーが同定されるが、特定の細胞型の代表ではない。先行技術の解析アプローチは、異なる型の細胞間の相互作用を識別出来ない。

【0088】

アッセイされた各遺伝子産物のレベルを、特定の細胞型に相関可能である、モデルの開発に基づく、方法、組成物およびキットが本明細書で提供される。細胞型特異的遺伝子発現の決定のためのこのアプローチは、異種細胞成分を含む組織または他の標本からの、細胞の物理的分離の必要性を取り除く。さらに、この方法によって、そのような異種成分からなる混合液中に含まれる異なる型の細胞間の相互作用の決定が可能になり、さもなければ、まず細胞を物理的に分離し、ついでアッセイしなければならず、難しいか、不可能である。本明細書で提供されたアプローチを用いて、複数のバイオマーカーが、種々の疾患および障害に関して同定可能である。前立腺癌および良性前立腺肥大に関するバイオマーカーの同定が、本明細書で例示される。そのようなバイオマーカーは、診断および予後、および処置決定で利用可能である。

【0089】

本明細書で提供された方法、組成物、組み合わせおよびキットは、1つ以上の型の細胞を含むサンプル中の、遺伝子発現の細胞型特異的パターンの同定に関して、回帰に基づくアプローチを利用する。1つの実施例において、本明細書で提供された方法、組成物、組み合わせおよびキットは、癌における遺伝子発現の細胞型特異的パターンの同定に関して、回帰に基づくアプローチを利用する。本明細書で提供されたこれらの方法、組成物、組み合わせおよびキットは、悪性対非悪性細胞にて異なって発現する遺伝子の同定にて利用可能であり、およびさらに、悪性細胞に関連しない非悪性細胞と比べて、悪性細胞に関連する非悪性細胞の遺伝子発現における、腫瘍依存変化を同定可能である。本明細書で提供された方法、組成物、組み合わせおよびキットはまた、表現型を、1つもしくはそれ以上の細胞型での遺伝子発現と相関させることにおいて利用可能でもある。たとえば、そのような方法には、少なくとも2つのサンプルが、各細胞型の同一の相対含量を含まない、2つもしくはそれ以上の関連異種細胞サンプル中の、各細胞型の相対含量を決定する工程、各サンプル中の1つもしくはそれ以上の遺伝子発現解析物の総レベルを測定する工程、各細胞型の相対含量と、測定された総レベル間の回帰相関を決定する工程、および、前記回帰相関に従って、各細胞型中の1つもしくはそれ以上の解析物の各々のレベルを計算することが含まれ、ここで、遺伝子発現レベルは、解析物の計算されたレベルに相関する。他の実施例において、そのような方法には、少なくとも2つのサンプルが、各細胞型の同一の相対含量を含まない、2つもしくはそれ以上の関連異種細胞サンプル中の、各細胞型の

相対含量を決定する工程、各サンプル中の2つもしくはそれ以上の遺伝子発現解析物の総レベルを測定する工程、各細胞型の相対含量と、測定された総レベル間の回帰相関を決定する工程、および、前記回帰相関に従って、各細胞型中の2つもしくはそれ以上の解析物の各々のレベルを計算することが含まれ、ここで、遺伝子発現レベルは、解析物の計算されたレベルに相関する。そのような方法にはさらに、少なくとも1つの他の細胞型に対して、少なくとも1つの細胞型にて異なって発現した遺伝子を同定することが含まれ得る。そのような方法において、解析物は、核酸分子またはタンパク質であり得る。

【0090】

本明細書で提供された方法は、任意の異種細胞集団における、細胞型特異的遺伝子発現を決定するために利用可能である。本明細書で提供された方法は、脳組織サンプルおよび筋肉組織サンプルのような、種々の細胞型を含むと知られているサンプル中での適用を発見可能である。本明細書で提供された方法はまた、ここで、細胞型の分離が、本明細書で提供された方法では、もはや必要ない、面倒で、時間がかかる操作に相当しうる、サンプル中の適用を発見可能である。本方法で使用したサンプルは、限定はしないが、血液、(限定はしないが、血中の上皮細胞のような、非血液細胞を含む)血液からの細胞、血漿、血清、髄液、リンパ液、皮膚、痰、(限定はしないが、尿、精液、精液、前立腺吸引物、前立腺液および精嚢からの液体を含む)食事性および尿生殖器サンプル、唾液、乳、(限定はしないが、前立腺組織標本を含む)組織標本、腫瘍、器官、およびインビトロ細胞培養構成物質のサンプルを含む、任意の種々のサンプルでありうる。

【0091】

特定の実施形態において、本明細書で提供された方法は、腫瘍細胞、過形成細胞、および癌の間質細胞の真のマーカーを識別するために利用可能である。本明細書で例示したように、個々の細胞型の割合を用いた最小二乗回帰を、複数の遺伝子についての、細胞特異的発現の明確な予測を生み出すために使用可能である。前立腺癌に適用した、本明細書で提供された例において、多くのこれらの予測が、前立腺遺伝子発現の以前の知識、および生物学の基礎に基づいて受け入れられ、本方法に信頼を提供する。これらは、結合組織の特徴である間質細胞によって選択的に発現され、上皮細胞では、わずかししか発現しないか、発現しないことが予想された、複数の遺伝子によって例示される。

【0092】

いくつかの実施形態において、本明細書で提供された方法によって、分子腫瘍および非腫瘍マーカーの、より個別の、情報を与える群への分離が可能になる。したがって、腫瘍関連として同定された遺伝子をさらに、腫瘍対間質(上皮対間葉)、および腫瘍対過形成(おそらく、悪性細胞とその過形成カウンターパート間の真の違いを反映する)に分類可能である。本明細書で提供した方法は、限定はしないが、口腔および咽頭(唇、舌、唾液腺、口腔底、歯茎および他の口、鼻咽頭、扁桃、中咽頭、舌咽頭、他の口/咽頭)の癌、消化系(食道、胃、小腸、結腸および直腸、肛門、肛門管、および肛門直腸、肝臓、肝内胆管、胆嚢、他の胆管、膵臓、後腹膜、腹膜、網および腸管膜、他の消化系)の癌、呼吸器系(鼻腔、中耳および洞、喉頭、肺および気管支、肋膜、気管、縦隔および他の呼吸器)の癌、中皮腫の癌、骨および関節、および心臓を含む軟組織、メラノーマおよび他の非上皮性皮膚癌を含む皮膚癌、カポジ肉腫および乳癌、女性生殖器(子宮頸、子宮体、子宮、NOS、卵巣、陰、外陰部および他の女性生殖器)の癌、男性生殖器(前立腺、精巣、ペニス、および他の男性生殖器)の癌、尿路系(膀胱、腎臓および腎盂、尿管および他の尿路)の癌、眼および眼窩の癌、脳および神経系(脳、他の神経系)の癌、内分泌系(胸腺を含む甲状腺および他の内分泌)の癌、リンパ腫(ホジキン病および非ホジキンリンパ腫)、多発性骨髄腫、および白血病(リンパ性白血病、骨髄性白血病、単球性白血病および他の白血病)などの部位で分類される癌、ならびに、新生物、悪性；カルシノーマ、NOS；カルシノーマ、未分化、NOS；巨大紡錘細胞カルシノーマ；小細胞カルシノーマ、NOS；乳頭カルシノーマ、NOS；扁平上皮細胞カルシノーマ、NOS；リンパ上皮カルシノーマ；基底細胞カルシノーマ、NOS；ピロマトリックス カルシノーマ、移行上皮カルシノーマ、NOS；乳頭移行上皮細胞カルシノーマ；アデノカルシノーマ、NO

S；ガストリノーマ、悪性；胆管癌、肝細胞カルシノーマ、NOS；肝細胞カルシノーマおよび胆管癌混合；索状腺腫；腺様嚢胞カルシノーマ；腺腫性ポリープ中のアデノカルシノーマ；アデノカルシノーマ、家族性結腸ポリポーシス、固体カルシノーマ、NOS；カルチノイド腫瘍、悪性；細気管支肺胞上皮アデノカルシノーマ；乳頭アデノカルシノーマ、NOS；嫌色素性カルシノーマ；好酸性カルシノーマ；好酸性アデノカルシノーマ；好塩基性カルシノーマ；明細胞アデノカルシノーマ、NOS；顆粒細胞カルシノーマ；濾胞状アデノカルシノーマ、NOS；乳頭および濾胞状アデノカルシノーマ；非被嚢性硬化性カルシノーマ；副腎皮質カルシノーマ；エンドメトロイド カルシノーマ；皮膚付属カルシノーマ；アポクリン アデノカルシノーマ；皮脂アデノカルシノーマ；耳垢アデノカルシノーマ；粘液性類表皮カルシノーマ；嚢胞腺癌、NOS；乳頭嚢胞腺癌、NOS；乳頭漿液嚢胞腺癌；粘液嚢胞腺癌、NOS；粘液アデノカルシノーマ；印環細胞カルシノーマ；浸潤性導管カルシノーマ；髓様カルシノーマ、NOS；小葉癌；炎症性乳癌；パジェット病、乳房；腺房細胞癌；腺扁平上皮癌；アデノカルシノーマ w／扁平上皮化生；胸腺腫、悪性；卵巢間質腫瘍、悪性；莢膜細胞腫、悪性；顆粒膜細胞腫、悪性；男性ホルモン産生細胞腫、悪性；セルトリ細胞カルシノーマ；ライディッヒ細胞腫瘍、悪性；脂肪細胞腫瘍、悪性；傍神経節腫、悪性；乳房外傍神経節腫、悪性；褐色細胞腫；グロマンジオ肉腫；悪性メラノーマ、NOS；メラニン欠乏性黒色腫；表在拡大型黒色腫；巨大色素性母斑中のマリグメラノーマ；類上皮細胞メラノーマ；青色母斑、悪性；肉腫、NOS；線維肉腫、NOS；線維性組織球腫、悪性；粘液肉腫；脂肪肉腫、NOS；平滑筋肉腫、NOS；横紋筋肉腫、NOS；胎児型横紋筋肉腫；胞巣状横紋筋肉腫；間質性肉腫、NOS；混合腫瘍、悪性、NOS；ミューラー管混合腫瘍；腎芽細胞腫；肝芽腫；癌肉腫、NOS；間葉腫、悪性；ブレンナー腫瘍、悪性；葉状腫瘍、悪性；滑膜肉腫、NOS；中皮腫、悪性；未分化胚細胞腫；胎生期癌、NOS；奇形腫、悪性、NOS；卵巢甲状腺腫、悪性；絨毛癌；中腎腫、悪性；血管肉腫；血管内皮腫、悪性；カボジ肉腫；血管周囲細胞腫、悪性；リンパ管肉腫；骨肉腫、NOS；傍骨性骨肉腫；軟骨肉腫、NOS；軟骨芽細胞腫、悪性；間葉性軟骨肉腫；骨の巨細胞腫瘍；ユーイング肉腫；歯源性腫瘍、悪性；エナメル上皮肉腫；エナメル上皮腫、悪性；エナメル上皮線維肉腫；松果体腫、悪性；脊索腫；神経膠腫、悪性；上衣細胞腫、NOS；神経膠星状細胞腫、NOS；原形質性星状細胞腫；線維性星状細胞腫；星状芽細胞腫；膠芽細胞腫、NOS；乏突起膠腫、NOS；乏突起膠芽細胞腫；未分化神経外胚葉；小脳肉腫、NOS；神経節芽細胞腫；神経芽細胞腫、NOS；網膜芽細胞腫、NOS；嗅覚神経性腫瘍；髄膜腫、悪性；神経線維肉腫；神経鞘腫、悪性；顆粒細胞腫瘍、悪性；悪性リンパ腫、NOS；ホジキン病、NOS；ホジキン；側肉芽腫、NOS；悪性リンパ腫、小リンパ球；悪性リンパ腫、大細胞、びまん性；悪性リンパ腫、濾胞性、NOS；菌状息肉腫；他の特異的非ホジキンリンパ腫；悪性組織球増殖症；多発性骨髄腫；マスト細胞肉腫；免疫増殖性小腸疾患；白血病、NOS；リンパ性白血病、NOS；形質細胞性白血病；赤白血病；リンパ肉腫細胞性白血病；骨髄性白血病、NOS；好塩基球性白血病；好酸球性白血病；単球性白血病、NOS；マスト細胞性白血病；巨核芽球性白血病；脊髄肉腫；およびヘアリー細胞白血病を含む、種々な組織型に分類された癌を含む種々の癌における、腫瘍と非腫瘍マーカーを区別するために、利用可能である。

【0093】

本明細書で提供された方法を用いた、前立腺組織解析の結果を、先行技術の方法の結果と比較する例において、先行技術のマイクロアレイに基づく研究で、正常の前立腺組織に関連するマーカーの大部分が、間質の細胞に関連する。この結果は、正常のサンプルが、間質細胞の比較的大きな割合からなることを考えると、驚くことではない。

【0094】

前立腺解析の例にて、良性前立腺肥大（BPH）細胞と腫瘍細胞間のもっとも強いシグナル識別子は、CK15であり、これは免疫組織化学によって確認された結果である。CK15は、この文脈で、過去にはほとんど注目を受けていなかったが、BPHマーカーは、不明瞭な臨床の場合の診断にて、重要な役割を果たす。

【0095】

その発現レベルが、組織割合のクロス乗積と高い共分散を有する転写物によって、1つの細胞型での発現が、パラクライン機構にて予想されうるように、他の組織の割合に依存することが示唆される。腫瘍パーセンテージに最も高い依存性を有する間質転写物は、 $TGF-\beta 2$ であった。免疫組織化学が、実用的である、別の間質細胞遺伝子は、デスミンであり、腫瘍関連間質において、異なる染色を示した。実際、多量の典型的な間質細胞遺伝子が、腫瘍の割合に依存性を提示し、これは、腫瘍関連間質が、非関連間質とは異なるという推定に対する証拠を加える。腫瘍-間質パラクラインシグナル伝達は、腫瘍細胞のみよりも、検出のために、より非常に大きな標的を提示可能な、変化した遺伝子発現の腫瘍周辺円にて反映されうる。

【0096】

本明細書で提供された方法は、その組織内での発現が、特異的に、特定の細胞型に相関する（たとえば、腫瘍細胞、BPH上皮細胞または間質細胞いずれかを有する前立腺組織にて）遺伝子を同定するために、単純および多重線形回帰を用いる直線的なアプローチを提供する。単一の細胞型に簡単には寄与しない、状況依存性発現もまた認識される。本明細書で記載される調査アプローチはまた、種々の組織および器官における、広範囲の腫瘍マーカー発見調査に適用可能である。本明細書で提示された例示的前立腺解析結果は、前立腺癌病因に関与する、種々の細胞の特定の産物として、大多数の遺伝子候補を同定する能力を示している。

【0097】

細胞特異的遺伝子発現のためのモデルは、（1）所定の組織または切片の型（たとえば、前立腺、乳、結腸、骨髄など）内の、各構成要素細胞型（たとえば上皮、間質、腫瘍または他の識別される実体）の割合の決定、および（2）同様の組織または標本の、発現プロフィール（たとえばRNAまたはタンパク質）のアッセイ、両方によって確立される。いくつかの実施形態において、遺伝子の細胞型特異的発現を、組織サンプルの集団からのデータに、本モデルを適合させることによって決定可能である。

【0098】

本明細書で提供された方法には、異種サンプル中の各細胞型の相対含量を決定する工程が含まれうる。サンプル中の細胞型の同定には、約1%、2%、3%、4%または5%、あるいは、1%より多い、2%より多い、3%より多い、4%より多いまたは5%より多い量で、サンプル中に存在する、細胞型を同定することが含まれうる。

【0099】

細胞型同定に関する、任意の種々の公知の方法を、本明細書で使用可能である。たとえば、細胞型を、病理学者または組織学者のような、細胞型を同定する能力を有する当業者によって決定可能である。他の実施例において、細胞型を、当該分野で公知の細胞ソーティングおよび／またはフローサイトメトリー法によって決定可能である。

【0100】

本明細書で提供された方法を利用して、ヌクレオチドまたはタンパク質が、少なくとも1つの他の細胞型に対して、少なくとも1つの細胞型中で差示的に発現する。そのような遺伝子には、アップレギュレートされるもの（すなわち、より高いレベルで発現するもの）、ならびにダウンレギュレートされるもの（すなわち、より低いレベルで発現するもの）が含まれる。そのような遺伝子にはまた、変化したもの（すなわち、短化配列、または点変異を含む、置換、欠損または挿入を有する配列）も含まれ、同様の発現プロフィールまたは変化したプロフィールいずれかを示す。特定の実施形態において、遺伝子は、ヒトからであり得、しかし、当業者が認めるように、他の生物体からの遺伝子も、疾患および薬物評価の動物モデルにて有用であり得、したがって、げっ歯類（ラット、マウス、ハムスター、モルモットなど）、霊長類および（ヒツジ、ヤギ、ブタ、ウシ、ウマなどを含む）家畜動物を含む、哺乳動物を含む、脊椎動物からの他の遺伝子が提供される。いくつかの場合、原核生物遺伝子が有用でありうる。任意の種々の生物体中の遺伝子発現を、本明細書で提供された方法、または当該分野で公知の方法によって決定可能である。

【0101】

本明細書で提供された方法に従って測定された遺伝子産物は、限定はしないが、mRNAまたはそのアンプリケートまたは相補体、ポリペプチド、またはそのフラグメントを含む、核酸分子でありうる。核酸分子およびタンパク質の検出のための方法および組成物が、当該分野で公知である。たとえば、オリゴヌクレオチドプローブおよびプライマーを、核酸分子の検出にて利用可能であり、抗体をポリペプチドの検出にて利用可能である。

【0102】

本明細書で提供された方法において、1つもしくはそれ以上の遺伝子産物が検出可能である。いくつかの実施形態において、2つもしくはそれ以上の遺伝子産物が検出される。他の実施形態において、3もしくはそれ以上、4もしくはそれ以上、5もしくはそれ以上、7もしくはそれ以上、10もしくはそれ以上、15もしくはそれ以上、20もしくはそれ以上、25もしくはそれ以上、35もしくはそれ以上、50もしくはそれ以上、75もしくはそれ以上、または100もしくはそれ以上の遺伝子産物を、本明細書で提供された方法にて検出可能である。

【0103】

サンプル中のマーカー遺伝子の発現レベルを、当該分野で公知の、任意の方法または組成物によって決定可能である。発現レベルは、各マーカー遺伝子から転写された核酸を単離し、そのレベル（すなわち量）を決定することによって決定可能である。あるいは、または加えて、マーカー遺伝子から転写されたmRNAから翻訳された特定のタンパク質のレベルを決定可能である。

【0104】

特定のマーカー遺伝子の発現のレベルを決定することは、mRNAまたはそれより由来するポリヌクレオチド、またはサンプルに存在するタンパク質の量を決定することによって達成可能である。タンパク質またはRNAレベルを決定するための任意の方法を利用可能である。たとえば、タンパク質またはRNAを、サンプルより単離し、ゲル電気泳動によって分離する。分離したタンパク質またはRNAをついで、フィルターのような固体支持体に移す。ついで、1つもしくはそれ以上のマーカーを示している核酸またはタンパク質（たとえば抗体）プローブを、ハイブリッド形成によって、フィルターにハイブリッド形成させ、マーカー由来のタンパク質またはRNAの量を決定する。そのような決定は、視覚的であり、またはデンスitomーターの利用によって、機械を利用可能である。タンパク質またはRNAレベルの決定の他の方法は、ドットブロットまたはスロットブロットの利用によってである。本方法にて、サンプルからの、タンパク質、RNAまたはそれより由来する核酸を、標識化する。タンパク質、RNAまたはそれより由来する核酸を、ついで、オリゴヌクレオチド、または1つもしくはそれ以上のマーカー遺伝子から由来する抗体を含むフィルターにハイブリッド形成させ、ここで、オリゴヌクレオチドまたは抗体が、別々で、簡単に同定可能な局所にて、フィルター上に位置する。標識化タンパク質またはRNAの結合、またはその欠如を、視覚的に、またはデンスitomーターによって、決定可能である。タンパク質またはポリヌクレオチドを、放射活性標識または蛍光（すなわち可視）標識を用いて標識化可能である。

【0105】

本明細書で提供した方法を、mRNAまたはそのアンプリケート、およびそれらの任意のフラグメントを検出するために利用可能である。1つの実施例において、mRNAまたはアンプリケート、またはそのフラグメントのイントロンを検出可能である。mRNAの処理には、イントロンが転写物から除去される、スプライシングが含まれうる。イントロンの検出を、たとえば、イントロン領域のみ（たとえば、任意のエキソンに付着していないイントロン）が検出される場合、mRNA全体の存在を検出するため、およびmRNAの処理を検出するために利用可能である。

【0106】

別の実施形態において、本明細書で提供された方法を、ポリペプチドおよびその改変の検出のために利用可能であり、ここで、ポリペプチドの改変が、リビジル化、糖付加、タ

ンパク質分解の活性化、および当該分野で公知の他のもののような翻訳後修飾であり得、またはタンパク質分解フラグメントおよびユビキチン化ポリペプチドのような、分解改変が含まれうる。

【0107】

これらの例は、限定する意図はなく、タンパク質またはRNA存在量を決定する他の方法が、当該分野で公知である。

【0108】

あるいは、タンパク質を、二次元ゲル電気泳動系によって分離可能である。二次元ゲル電気泳動は、当該分野でよく公知であり、第一次元にそって、等電点電気泳動、ついで第二次元にそって、SDS-PAGE電気泳動が含まれうる。たとえば、Hames et al., 1990, GEL ELECTROPHORESIS OF PROTEINS, : A PRACTICAL APPROACH, IRL Press, New York; Shevchenko et al., Proc. Nat'l Acad. Sci. USA 93:1440-1445 (1996); Sagliocco et al., Yeast 12:1519-1533 (1996); Lander, Science 274:536-539 (1996)を参照のこと。得られた電気泳動グラムを、質量分析技術、ポリクローナルおよびモノクローナル抗体を用いる、ウエスタンブロッティングおよび免疫ブロット解析を含む、複数の技術によって解析可能である。

【0109】

あるいは、マーカー由来タンパク質レベルを、結合部位が、細胞ゲノムによってコードされた複数のタンパク質種に特異的な、モノクローナル抗体のような、固定化抗体を含む、抗体マイクロアレイを構築することによって決定可能である。抗体は、目的のマーカー由来タンパク質の本質的な画分に関して存在可能である。モノクローナル抗体を作製するための方法はよく知られている（たとえば、そのすべてが、すべての目的で組み込まれている、Harlow and Lane, 1988, ANTIBODIES: A LABORATORY MANUAL, Cold Spring Harbor, N. Y.を参照のこと）。1つの実施形態において、モノクローナル抗体を、細胞のゲノム配列に基づいて設計された、合成ペプチドフラグメントに対して作製する。そのような抗体アレイにて、細胞からのタンパク質をアレイに接触させ、その結合を、当該分野で公知のアッセイにてアッセイする。診断または目的の被験体のタンパク質の発現、および発現のレベルを、組織薄片または切片の免疫組織化学的染色を介して検出可能である。

【0110】

別の実施形態において、多数の組織標本における、マーカー遺伝子の発現を、組織アレイを用いて特性化可能である（Kononen et al., Nat. Med 4 (7): 844-7 (1998)）。組織アレイにて、多重組織サンプルを、同一のマイクロアレイ上で評価する。アレイによって、RNAレベルおよびタンパク質レベルのin situ検出が可能であり、連続切片によって、複数のサンプルの、同時の解析が可能である。

【0111】

いくつかの実施形態において、ポリヌクレオチドマイクロアレイを、上記マーカーの各々の発現状態を同時に評価するように、発現を測定するために使用する。1つの実施形態において、本明細書で提供されたマイクロアレイは、本明細書で記載したマーカー遺伝子に相当する遺伝子にハイブリッド形成可能なプローブを含む、オリゴヌクレオチドまたはcDNAアレイである。

【0112】

本明細書で提供されたマイクロアレイには、細胞を区別し、表現型を同定し、疾患または障害を同定し、あるいは、疾患または障害の予後を提供することが可能な、マーカーに相当する遺伝子にハイブリッド形成可能なプローブが含まれうる。とりわけ、配列番号1～38, 826にて列記したマーカーの全セットまでの、少なくとも2、5、10、15、20、30、40、50、75、100、150、200、300、400、500、

750、1、000、1、250、1、500、1、750、2、000、2、250、2、500、2750、3000、3500、4000、4500、5000もしくはそれ以上の遺伝的マーカーのサブセットまたは複数のサブセットに対するプローブを含む、ポリヌクレオチドアレイが本明細書で提供される。いくつかの実施形態において、配列番号1～38、826から選択されたヌクレオチド配列は、配列番号35、580～38、826から選択される。2.5、3、3.5、4、4.5または5より大きいか、または等しい、改変統計値を有する、マーカーに対するプローブも、本明細書で提供される。-2.5、-3、-3.5、-4、-4.5または-5より小さいか、または等しい、改変統計値を有する、マーカーに対するプローブも、本明細書で提供される。特定の実施形態において、本発明は、本明細書で記載されたマーカーが、組み合わせまたはアレイ上、少なくとも50%、60%、70%、80%、85%、90%、95%または98%のプローブを含むアレイのような、組み合わせを提供する。

【0113】

上記マーカーセットおよび／またはサブセットを含むマイクロアレイの構築にふさわしい一般的な方法が、本明細書で記載されたように、当該分野で公知である。

【0114】

マイクロアレイは、ポリペプチドまたはポリヌクレオチド配列を含むプローブをスクリーニングする工程、ついで、そのようなプローブを、固体支持体または表面に固定化する工程、によって調製可能である。たとえば、プローブは、DNA配列、RNA配列または抗体を含みうる。プローブはまた、アミノ酸、DNAおよび／またはRNA類似体、またはその組み合わせを含みうる。プローブは、当該分野で公知の任意の方法によって調製可能である。

【0115】

本発明の方法にて利用されるプローブは、多孔性であるか、多孔性ではないかいずれかでありうる、固体支持体に固定化可能である。たとえば、プローブは、ニトロセルロースまたはナイロン膜またはフィルターに結合可能である。あるいは、固体支持体または表面は、ガラスまたはプラスチック表面でありうる。他の実施形態において、ハイブリッド形成レベルを、プローブの集団が固定化された表面上の、固相からなるプローブのマイクロアレイに対して測定する。固相は、多孔性ではなくてもよく、または、必要に応じて、ゲルのような多孔性物質であってもよい。

【0116】

別の実施形態において、マイクロアレイは、位置的にアドレス可能なアレイのような、アドレス可能アレイである。よりとりわけ、アレイの各プローブは、各プローブの同定（すなわち配列）が、アレイ中（すなわち支持体または表面上）のその位置より決定可能であるように、固体支持体上の、既知の、先に決定された位置で局在可能である。

【0117】

当業者は、陽性コントロールプローブ、たとえば、標的ポリヌクレオチド分子中の配列に対して、相補的であり、ハイブリッド形成可能であると知られているプローブ、および陰性コントロールプローブ、たとえば標的ポリヌクレオチド分子中の配列に対して、相補的ではなく、ハイブリッド形成可能でもないことが知られているプローブを、アレイに含めることが可能であることを理解するであろう。1つの実施形態において、陽性コントロールを、アレイの周囲にそって合成可能である。他の実施形態において、陽性コントロールを、アレイを横切って対角線ストライプ中で合成可能である。他のバリエーションが、当該分野で公知である。プローブを、当該分野で公知の任意の種々の方法によって、固体表面上に固定化可能である。

【0118】

特定の実施形態において、本モデルをさらに、細胞または生物体表現型のような、サンプル特徴を含めるように拡張し、細胞型特異的発現を、臨床指標および予後（たとえば、臨床疾患進行、治療への応答など）のような観察可能な指標に連結可能である。1つの実施形態において、前立腺組織に関するモデルが提供され、結果として、癌、上皮肥大、お

よび疾患の進行の細胞型－特異的マーカーの同定となる。他の実施形態において、再発した癌を患う被験体と、再発しない癌を患う被験体間の、差示的遺伝子発現を研究するための方法が開示される。混合細胞型サンプルを研究するためのフレームワーク、およびサンプル中の遺伝子中のクロストークを可能にする、より柔軟なモデルも提供される。後に再発する被験体 対 再発しない被験体からのサンプルのような、異なる特徴を有するサンプル間の発現における差を定義することへの拡張も提供される。

【0119】

(統計学的処理)

本明細書で提供された方法には、相対細胞含量および測定した発現レベル間の回帰相関を決定することが含まれる。たとえば、回帰相関は、細胞割合における、測定した発現レベルの回帰を決定することによって決定可能である。変数間の回帰相関を決定するための統計学的方法が、当該分野で公知である。そのような一般的な統計学的方法を、細胞割合における測定された発現レベルの回帰に関して、本明細書で提供された技術に従って利用可能である。

【0120】

本明細書で提供された方法にはまた、相対細胞含量と発現レベル間の回帰相関に基づいて、各細胞型における解析物のレベルを計算する工程、が含まれる。回帰相関は、本明細書で提供された方法に従って、そして、回帰相関に基づいて決定可能であり、特定の解析物のレベルを、特定の細胞型に関して計算可能である。本明細書で提供された方法は、特定の細胞型に対して、種々の解析物の任意の計算を可能にし得る。たとえば、本明細書で提供された方法は、単一の細胞型に関して、単一の解析物の計算を許容可能であり、または単一の細胞型に関して、複数の解析物の計算を許容可能であり、または複数の細胞型に関して、単一の解析物の計算を許容可能であり、または複数の細胞型に関して、複数の解析物の計算を許容可能である。したがって、そのレベルを、特定の細胞型に関して計算可能である、解析物の数は、単一解析物から、測定した解析物の総数（たとえば、マイクロアレイを用いて測定した解析物の総数）までの範囲である。他の実施形態において、解析物レベルを計算可能である、細胞型の総数は、単一細胞型から、十分なレベルでサンプル中に存在するすべての細胞型の範囲である。特定の細胞型に関する解析物のレベルを利用して、本明細書の他の部分で提供したように、相当する遺伝子の発現レベルを推定可能である。

【0121】

本明細書で提供された方法にはまた、第二細胞型にくらべて、第一細胞型にて異なった形で発現した遺伝子を同定することが含まれる。特定の細胞型における、1つもしくはそれ以上の遺伝子の発現レベルを、1つもしくはそれ以上のさらなる細胞型と比較可能である。発現レベルにおける差は、本明細書で提供したように、数学的、または統計学的表示を含む、当該分野で公知の種々の様式の任意にて表示可能である。たとえば、発現レベルにおける差を、本明細書の他の部分で記載するように、改変t統計値として表すことができる。

【0122】

本明細書で提供された方法にはまた、被験体における特定の細胞型の存在を示唆する方法のための、基礎として利用可能である。本明細書で提供された方法は、特定の細胞型における、発現レベルを同定するために使用可能である。単純ベイズ分類子のような、当該分野で公知の、任意の種々の分類子方法を利用して、サンプル中の特定の細胞型の、存在または不在、または任意に相対量を決定するために、被験体からのサンプルの細胞中の、遺伝子発現レベルを、参照発現レベルと比較可能である。たとえば、前立腺腫瘍、間質またはBPHに関連したような、本明細書で提供されたマーカーを、本明細書表にて提供した、各マーカーに関連した、改変t統計値に従って、前立腺腫瘍分類子中で選択可能である。分類子方法にて、改変t統計値を用いるための方法が、本明細書で提供され、また当該分野で公知である。他の実施形態において、本明細書で提供された方法を、被験体からのサンプル中の遺伝子発現レベルを、1つもしくはそれ以上の特定の表現型の指標となる

参照と比較可能である、診断または予後方法のような、表現型—示唆方法にて使用可能である。

【0123】

限定の目的ではなく、例示の目的のために、異種細胞サンプル中の1つもしくはそれ以上の細胞型における、遺伝子発現レベルを決定する例示的方法を、以下に提供する。4つの細胞型、BPH、腫瘍、間質および囊胞性萎縮が存在することを仮定する。各細胞型が

【0124】

【数2】

$$f_{ij}(y), \quad i \in \{\text{BPH}, \text{腫瘍}, \text{間質}, \text{囊胞性萎縮}\}$$

によって表示されるように、 y に関して（おそらく）異なる分布、遺伝子 j に対して発現レベルを有し、そして サンプル k は、各細胞型の割合

【0125】

【数3】

$$X_k = (x_{k,\text{BPH}}, x_{k,\text{腫瘍}}, x_{k,\text{間質}}, x_{k,\text{囊胞性萎縮}})$$

を有することが仮定され、研究される。各細胞の発現レベルが、細胞の型のみに依存する（すなわち、どんな他の型の細胞がサンプル中に存在し得るかには依存しない）とき、そのままの細胞の割合に、発現レベルが付加的である場合に、遺伝子 j の発現レベルの分散は、

【0126】

【数4】

$$g_j(y|X_k) = \sum_i x_{ki} f_{ij}(y)$$

である。後の節では、この式は、所与の細胞型の発現が、どんな他の細胞型が存在するかに依存する場合に拡張される。

【0127】

その結果、サンプル中の平均発現レベルは、細胞割合に相当する加重での、期待値の重みつき平均であり、

【0128】

【数5】

$$E_{g_j}(y|X_k) = \sum_i x_{ki} E_{f_{ij}}(y)$$

または

【0129】

【数6】

$$y_{jk} = \sum_i x_{ki} \beta_{ij} + \epsilon_{jk}$$

で、式中、

【0130】

【数7】

$$E_{f_{ij}}(y) = \beta_{ij} \text{ および } \epsilon_{jk} = y_{jk} - E_{g_j}(y|X_k)$$

これは、（切片の特定化なしで）多重直線回帰等式に対する公知の形態であり、多重サンプルが利用可能である場合、 β_{ij} を推定可能である。一旦これらの推定がされたならば、2つの細胞型の遺伝子発現における差に関する推定は、

【0131】

【数8】

$$\hat{\beta}_{i_1j} - \hat{\beta}_{i_2j}$$

の形態であり、細胞型 i_1 および i_2 の平均発現レベルが異なるかどうかを試験するために、係数 β_{ij} に関する線形仮説を試験するための標準方法を適用可能である。本方法の本実施例にて使用するときの語句「発現レベル (expression levels)」は、一般的な意味で使用され、「発現レベル」は、mRNAレベル、cRNAレベル、タンパク質レベル、アレイの特徴からの蛍光強度の読み取り、その読み取りの対数、いくらか高い処理後読み取りなどでありうる。したがって、係数の差は、根底にある転写物の量の、差、ログ比またはいくつかの他の関数に対応しうる。

【0132】

計算の便利さのために、特定の実施形態で、

【0133】

【数9】

$$T = \begin{pmatrix} 1 & 1 & -1 & 0 \\ 1 & 1 & 1 & 0 \\ 1 & 0 & 0 & 1 \\ 1 & 0 & 0 & 0 \end{pmatrix}$$

のように、Tの1つの列が、全てゼロであるが、位置 i_1 において1、位置 i_2 において-1であるように、Tを設定して、 $Z = XT$ および $y = T^{-1}\beta$ を利用しうる。結果のZの列は、単位ベクトル（すべてのもの）、 $X_{\underline{k}}$ 、 $BPH + X_{\underline{k}}$ 、腫瘍、 $X_{\underline{k}}$ 、 $BPH - X_{\underline{k}}$ 、腫瘍、および $X_{\underline{k}}$ 、間質である。このセットアップにて、 $X_{\underline{k}}$ 、 $BPH - X_{\underline{k}}$ 、腫瘍の係数の二倍が、腫瘍細胞対BPH細胞の発現レベルにおける平均差違を推測する。このパラメータ化にて、標準のソフトウェアを使用して、腫瘍とBPH細胞の平均差違に関して、推定値およびテスモディファイt検定を提供可能である。さらに、これは、2つもしくはそれ以上の組織成分が、同一の平均発現レベルを有する制限モデルの明細事項を簡単にすることが出来る。

【0134】

試験のためのデータには、より少数の異なるヒトからの、複数のサンプルが含まれうる。その型にしたがった、その細胞間の差にもかかわらず、1名のヒトからのサンプルが、所定の遺伝子について共通のレベルの発現を共有する傾向がありうることもっともらしく思われる。これは、ヒト内の発現レベルの測定の間の正の共分散を導く傾向にある。最小二乗推定法 (OLS) 推定値は、そのような環境にて、完全に有効ではない。OLSに対する1つの代法は、共通の (負ではない) 共分散および同一の分散を有するとして、単一の被験体からのサンプルの収集物を処理する、重みつき最小二乗アプローチを利用する

ことである。

【0135】

このセットアップのための推定方程式は、Rからのgeeライブラリーのような、ソフトウェアを用いる、反復法を介して解くことができる(Ross Ihaka and Robert Gentleman, R: A language for data analysis and graphics, Journal of Computational and Graphical Statistics, 5:299-314, 1996))。データセットにて極端なアウト라이어が存在する場合に時々おこるような、推定共分散が負である場合、ゼロに固定化されうる。また、共分散構造のサンドイッチ推定(Kung-Yee Liang and Scott L. Zeger, Longitudinal data analysis using generalized linear models, Biometrika, 73:13-22, 1986)も利用可能である。

【0136】

推定方程式アプローチによって、単一の転写物に関して、テストディファイト統計値が提供される。12625の転写物の一群間の、差違発現の評価を、好適なヌルモデルを引き受ける、順列方法によって扱う。そのヌルモデルは、今言及した、交換可能な、負ではない相関構造を用いて、「BPH-腫瘍」項を除いて、全ての設計された項に対して発現レベルを回帰させることによって得られる。順列試験を実施するために、残差残差中の相関構造が計上されうる。被験体1に対して、 κ_1 を、サンプルの n_1 指数の集合であるとする。まず、本発明者らは、被験体1に対して、フィッティングしたヌルモデルからの残差として、

【0137】

【数10】

$$y_{jk} - \hat{y}_{jk} = e_{jk}, \quad k \in \kappa_1,$$

を求める。これらの残差の相関行列の逆平方根を、これらを変換するために使用する、すなわち

【0138】

【数11】

$$\tilde{e}_j = \phi^{-1/2} e_j.$$

で、式中 ϕ は、各被験体に関する測定値に対応するブロックの非対角要素として、geeからの r の推定値を置換することによって得られた、(ブロック対角)相関行列であり、 e_j および

【数11-1】

$$\tilde{e}_j$$

は、遺伝子 j に対する、全ての被験体に対する、残差および変換残差のベクトルである。漸近的に、

【数11-2】

$$\tilde{e}_{jk}$$

は、ゼロと等しい平均および共分散を有する。これら、

【0139】

【数 1 2】

$$\tilde{e}_{j.}^{(i)}, i = 1, \dots, M,$$

の無作為順列が得られ、擬似的観察を形成するために使用される：

【0 1 4 0】

【数 1 3】

$$\hat{y}_{j.}^{(i)} = \hat{y}_{j.} + \varphi^{1/2} \tilde{e}_{j.}^{(i)}$$

この順列スキームが、ヌルモデルを保存し、その相関構造を漸近的に強化する。

【0 1 4 1】

特定の実施形態において、各型の細胞の寄与は、サンプル中に存在する他の細胞型がな
んであるかに依存しない。しかしながら、各細胞型が、サンプル中に存在する他の細胞型
に依存する例が存在しうる。推定上「正常の」細胞が、それらの発現プロファイルおよび
それらの悪性になる可能性両方に影響を与えるゲノム特徴を表すことが起こりうる。その
ような細胞は、正常の組織中に位置した場合に、同一の発現パターンを示し得、しかし、
それらの中で、腫瘍細胞も有するサンプル中で発見される可能性が高い。他の可能性のあ
る効果は、腫瘍細胞によって産生されるシグナルが、同様の細胞が、全体が正常の組織中
に位置した場合には見られないであろう、近隣の細胞での発現の変化を引き起こすことで
ある。いずれかの場合、個々の細胞型の、全体のプロファイルに対する寄与が、存在する
全ての型の割合（すなわち

【0 1 4 2】

【数 1 4】

$$g_j(y|X_k) = \sum_i x_{ki} f_{ij}(y|X_k)$$

を、予測された割合

【0 1 4 3】

【数 1 5】

$$E_{g_j}(y|X_k) = \sum_i x_{ki} E_{f_{ij}}(y|X_k)$$

または

【0 1 4 4】

【数 1 6】

$$y_{jk} = \sum_i x_{ki} \beta_{ij}(X_k) + \epsilon_{jk}$$

とする）に依存するセットアップを導く、別の組織環境中よりも、細胞の寄与が大きい
か、または小さくあり得る。

【0 1 4 5】

以上で、本明細書にて提供された方法は、いくつかの計算可能な形態が、 $\beta_{ij}(X_k)$
) に関して与えられるという条件の文脈にて依然として適用可能である。1つの選択肢は

、
【 0 1 4 6 】

【 数 1 7 】

$$\beta_{ij}(X_k) = (\phi_j R(X_k))_i$$

によって与えられ、式中 Φ_j は、未知の係数の $4 \times m$ 行列であり、 $R(X_k)$ は m 要素の列ベクトルである。これは、 Φ_j が 4×1 行列および $R(X_k)$ がただ「1」である、各細胞の発現レベルが細胞の型のみに依存する場合にまで減少する。

【 0 1 4 7 】

以下の場合

【 0 1 4 8 】

【 数 1 8 】

$$\phi_j(X_k)R(X_k) = \begin{pmatrix} \nu_{Bj} & \nu_{Bj} & \nu_{Bj} & \nu_{Bj} \\ \nu_{Tj} & \nu_{Tj} & \nu_{Tj} & \nu_{Tj} \\ \nu_{Sj} & \nu_{Sj} + \delta_j & \nu_{Sj} & \nu_{Sj} \\ \nu_{Cj} & \nu_{Cj} & \nu_{Cj} & \nu_{Cj} \end{pmatrix} \begin{pmatrix} x_{k,B} \\ x_{k,T} \\ x_{k,S} \\ x_{k,C} \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} \nu_{Bj} \\ \nu_{Tj} \\ \nu_{Sj} + \delta_j x_{k,T} \\ \nu_{Cj} \end{pmatrix}$$

$$\phi_j(X_k)R(X_k) = \begin{pmatrix} \nu_{Bj} & \nu_{Bj} & \nu_{Bj} & \nu_{Bj} \\ \nu_{Tj} & \nu_{Tj} & \nu_{Tj} & \nu_{Tj} \\ \nu_{Sj} & \nu_{Sj} + \delta_j & \nu_{Sj} & \nu_{Sj} \\ \nu_{Cj} & \nu_{Cj} & \nu_{Cj} & \nu_{Cj} \end{pmatrix} \begin{pmatrix} x_{k,B} \\ x_{k,T} \\ x_{k,S} \\ x_{k,C} \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} \nu_{Bj} \\ \nu_{Tj} \\ \nu_{Sj} + \delta_j x_{k,T} \\ \nu_{Cj} \end{pmatrix}$$

(および

【 0 1 4 9 】

【 数 1 9 】

$$\sum_j X_{k,j} = 1$$

を思い出す)を考慮する。ここで、腫瘍に関する下文字が、省略のために、Tなどと略される。このセットアップは、BPH(B)、腫瘍および嚢腫性萎縮(C)細胞が、サンプル中の他の細胞型に依存しない発現プロファイルを有することを提供する。しかしながら、間質細胞(S)の発現レベルは、係数 δ_j によって反映されたように、腫瘍細胞の割合に依存する。未知の、

【 0 1 5 0 】

【 数 2 0 】

$$X_k \phi_j R(X_k) = x_{k,B} \nu_{Bj} + x_{k,T} \nu_{Tj} + x_{k,S} \nu_{Sj} + x_{k,S} x_{k,T} \delta_j + x_{k,C} \nu_{Cj}$$

係数が、これらの項の乗数である、 $X_{k,B}$ 、 $X_{k,T}$ 、 $X_{k,S}$ 、 $X_{k,C}$ および $X_{k,S}$ 、 $X_{k,T}$ と線形であることに注意すること。よって、この場合、未知なのは、遺伝子発現レベルの線形関数であり、先に実施したように、標準の線形モデルを用いて決定可能である。ここでの唯一の変化は、 $X_{k,S}$ および $X_{k,T}$ の積の足し算である。有意な場合、そのような積は、「相互作用(interaction)」と呼ばれ、 $X_{k,T}$ との $X_{k,S}$ の相関のため、有意なレベルを達成する積を意味する。したがって、1つの細胞型における転写物のレベルが、サンプル中の他の細胞型の量によって影響を受ける場合におこる、遺伝子発現の変動に適合することが可能である。1つの観点において、間質の量

に対する、腫瘍の依存性を含むセットアップ

【0 1 5 1】

【数 2 1】

$$\phi_j(X_k)R(X_k) = \begin{pmatrix} \nu_{Bj} & \nu_{Bj} & \nu_{Bj} & \nu_{Bj} \\ \nu_{Tj} & \nu_{Tj} & \nu_{Tj} + \delta_j & \nu_{Tj} \\ \nu_{Sj} & \nu_{Sj} & \nu_{Sj} & \nu_{Sj} \\ \nu_{Cj} & \nu_{Cj} & \nu_{Cj} & \nu_{Cj} \end{pmatrix} \begin{pmatrix} x_{k,B} \\ x_{k,T} \\ x_{k,S} \\ x_{k,C} \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} \nu_{Bj} \\ \nu_{Tj} + \delta_j x_{k,T} \\ \nu_{Sj} \\ \nu_{Cj} \end{pmatrix}$$

$X_k \Phi_j R(X_k)$ の表現は、正確に、直前に記載したとおりである。

【0 1 5 2】

したがって、細胞型の割合のリグレッサ産物として含めることによって、依存性に関してスクリーニング可能である。特定の実施形態において、2つの異なる細胞型が、等しい、そして反対の変化を経験した場合、1つの型が、他における増加よりも多く発現しており、他が、最初のものにおける増加より少なく発現している場合に、相互作用を検出可能ではない可能性がある。1つの実施形態において、遺伝子発現の依存性が、他の細胞型における遺伝子発現のレベルに対する、1つの細胞型における遺伝子発現の依存性を意味する。他の実施形態において、遺伝子発現の依存性は、他の細胞型の量に対する、1つの細胞型における遺伝子発現の依存性を意味する。

【0 1 5 3】

各型の細胞の寄与は、サンプル中にどんな他の細胞型が存在するかに依存しうるが、また、寄与する被験体の臨床的特徴のような、サンプルの他の特徴に依存しうる。たとえば、疾患症状のような臨床的特徴、疾患の再発および／または攻撃性のような疾患予後、疾患の処置の成功の可能性、生存の可能性、特定の治療計画が、他の治療計画よりもより効果的である可能性が高い状態が、細胞発現と相関しうる。たとえば、細胞型特異的遺伝子発現は、処置の後再発していない癌を患う被験体と、処置の後再発した癌を患う被験体間で異なりうる。この場合、個々の細胞型の、総プロファイルに対する寄与が、被験体またはサンプルの特徴に依存する例を導く、細胞型の寄与が、他の被験体中よりもより大きいか、より小さい可能性がある。ここで、先に使用したモデルが、サンプル特異的共分散のベクトルに対する依存性を許容するように拡張され、 Z_k ：

【0 1 5 4】

【数 2 2】

$$g_j(y|X_k, Z_k) = \sum_i x_{ki} f_{ij}(y|X_k, Z_k)$$

を、予想された割合

【0 1 5 5】

【数 2 3】

$$E_{g_j}(y|X_k, Z_k) = \sum_i x_{ki} E_{f_{ij}}(y|X_k, Z_k)$$

または

【0 1 5 6】

【数 2 4】

$$y_{jk} = \sum_i x_{ki} \beta_{ij}(X_k, Z_k) + \epsilon_{jk}$$

(式中、

【0 1 5 7】

【数 2 5】

$$E_{f_{ij}}(y|X_k, Z_k) = \beta_{ij}(X_k, Z_k) \text{ および } \epsilon_{jk} = y_{jk} - E_{g_j}(y|X_k, Z_k)$$

である) とする。

【0 1 5 8】

上記の本明細書で使用方法は、 $\beta_{ij}(X_k, Z_k)$ に関して、いくつかの妥当な形態が与えられる条件で、本文脈で適合可能である。1つの有用な選択は、

【0 1 5 9】

【数 2 6】

$$\beta_{ij}(X_k, Z_k) = (\phi_j R(Z_k))_i$$

によって与えられる。式中 ϕ_j は、未知の共分散の $4 \times m$ 行列 であり、 $R(Z_k)$ は、 m 要素の 列 ベクトルである。

【0 1 6 0】

再発した被験体および再発しない被験体の間での遺伝子の発現における差を研究するために、どのようにこれが使用されうるかを考える。この場合、 Z_k は、再発しない被験体のサンプルに対して、値ゼロを与え、再発する被験体に 1 を与える、指示変数 である。そして、

【0 1 6 1】

【数 2 7】

$$R(Z_k) = \begin{pmatrix} 1 \\ Z_k \end{pmatrix}$$

で、 ϕ_j は、共分散の 4×2 行列 である：

【0 1 6 2】

【数 2 8】

$$\phi_j = \begin{pmatrix} \nu_{Bj} & \delta_{Bj} \\ \nu_{Tj} & \delta_{Tj} \\ \nu_{Sj} & \delta_{Sj} \\ \nu_{Cj} & \delta_{Cj} \end{pmatrix}$$

ここで、これは

【0 1 6 3】

【数 2 9】

$$X_k \phi_j R(Z_k) = x_{k,B} \nu_{Bj} + x_{k,T} \nu_{Tj} + x_{k,S} \nu_{Sj} + x_{k,C} \nu_{Cj} + x_{k,B} Z_k \delta_{Bj} + x_{k,T} Z_k \delta_{Tj} + x_{k,S} Z_k \delta_{Sj} + x_{k,C} Z_k \delta_{Cj}$$

をもたらすことに注意すること。 ν 共分散は、再発しない被験体における異なる細胞型の平均発現を与え、一方で、 δ 共分散は、再発する被験体、およびしない被験体における異なる細胞型の平均発現間の差を与える。したがって、 δ_T のゼロではない値が、腫瘍細胞内で、平均発現レベルが、再発する被験体と、しない被験体に対して異なることを示唆する。以上の式は、その係数において線形であり、したがって、標準の統計学的方法を、係数についての推定および推測に適用可能である。 β を、細胞割合と、サンプルの共分散両方に依存させる拡張を、本明細書で提供された教示、または当該分野で公知の他の方法に従って決定可能である。

【0164】

(核酸)

配列番号 1～38, 826 にて提供された、1つもしくはそれ以上のヌクレオチド配列を含む核酸、またはその相補体が、本明細書で提供される。簡潔さ、および明確化の目的で、配列番号 1～38, 826 中の 1つもしくはそれ以上のヌクレオチド配列に対する参照はまた、当業者によって理解されるであろうように、その相補的なヌクレオチド配列を意味する意図がある。いくつかの実施形態において、配列番号 1～38, 826 にて提供された、1つもしくはそれ以上のヌクレオチド配列を含む核酸分子は、RNA および/またはポリペプチドをコードする遺伝子である。配列番号 35, 580～38, 826 に示されるヌクレオチド配列のスプライス バリエントも本明細書で提供される。そのようなスプライス バリエントもまた、ポリペプチドをコード可能である。とりわけ、そのスプライス バリエントを含む、動物からの、配列番号 35, 580～38, 826 に示されるヌクレオチド配列を含む遺伝子をコードする核酸分子が提供される。コードするタンパク質もまた提供される。その機能的ドメインも提供される。提供される各々の核酸分子に関して、核酸は、DNA または RNA または PNA または他の核酸類似体であり得、または非天然のヌクレオチド塩基を含みうる。配列番号 1～38, 826 にて提供されたヌクレオチド配列に相補的なヌクレオチドの配列を含む、単離核酸分子も提供される。いくつかの実施形態において、配列番号 1～38, 826 から選択されたヌクレオチド配列は、配列番号 35, 580～38, 826 から選択される。

【0165】

いくつかの表に関して、Genbank 登録番号、遺伝子座 ID、遺伝子のヌクレオチド配列、遺伝子のスプライス領域、遺伝子に関する開始および終止翻訳部位、各プローブセットに関する改変 t 統計値、および個々の表に関して記載されたさらなる情報を含む、プローブセット、プローブセット中のプローブのヌクレオチド配列、プローブセットに関連した遺伝子を列記している表が、本明細書で提供される。当業者は、第一の表中の、特定のプローブセットに関連したヌクレオチド配列情報が、プローブのセットを、改変 t 統計値のような特徴を有するものと関連させる、1つもしくはそれ以上のさらなる表のおかげで、改変 t 統計値のような他の特徴と関連可能であるように、表間の関係を認識する。たとえば、表 15 は、各プローブセット (プローブ ID) に相当する列記されている開示配列のヌクレオチド配列を同定するために、プローブ ID、プローブ SEQ ID NO および遺伝子 SEQ ID NO を列記しており、特定のプローブ ID に関する情報 (たとえば、改変 t 統計値) を記載している続く表 (たとえば表 2 または表 8) はしたがって、そのプローブ ID で同定される各ヌクレオチド配列に関する情報を記載するために、本明細書で企図される。

【0166】

表 2 は、Bstat (BPH に対する改変 t 統計値)、Sstat (間質に対する改変

t 統計値)、T s t a t (腫瘍に対する改変 t 統計値)を含む、A f f y m e t r i x U 9 5 A v 2 マイクロアレイに対する、改変 t 統計値を提供している。U 1 3 3 a マイクロアレイに対するプローブ I D をマップする U 9 5 A v 2 マイクロアレイに対するプローブ I D、およびそれ自身のマッピングが、表 1 7 で提供されており、ここで、マッピングは、同一の遺伝子にハイブリッド形成可能であるマイクロアレイのプローブ I D を表している。2つのアレイに関して、同一の名前を有するプローブ I D は同一である。したがって、表 1 7 のマッピングによって、表 2 プローブ I D は、表 1 5 を介して、ヌクレオチド配列と関連可能である。表 8 は、A f f y m e t r i x U 1 3 3 a マイクロアレイに対するプローブ I D、および B P H、腫瘍、間質および嚢腫性萎縮に対する関連 t 統計値を提供している。表 8 はまた、改変 t 統計値が、2. 5 より大きい細胞型を同定する。表 8 はまた、関連遺伝子に対する計算した発現が、他の細胞型においてよりも 2 倍以上である細胞型を同定し、そのような情報は、本明細書の他の場所で記載するように、分類指標に対するプローブのスクリーニングにおいて利用可能である。表 9 は、再発患者の前立腺腫瘍細胞において、アップレギュレートおよびダウンレギュレートされた、トップの遺伝子を提供し、前立腺癌の全てのサンプルを含む直線回帰によって計算され、表 9 にて、「1」は、トップのアップレギュレートされた遺伝子であり、「-1」は、トップのダウンレギュレートされた遺伝子である。(プローブ I D を列記している)表 9 にて参照される遺伝子(類)は、表 1 5 を介して決定可能である。プローブ I D によって遺伝子を記載している他の表をまた、表 1 5 に従って解釈可能である。表 9 ~ 1 3 はまた、「D」によって、遺伝子が、再発および非再発組織間の予想された発現の比の、1. 5 倍以上を有するものを示し、アレイによって問い合わせられたほとんどの遺伝子に関して報告された発現レベルを超える発現における絶対差を示す、カラムを含む。

【0167】

表 1 0 は、再発患者の前立腺間質において、アップレギュレートおよびダウンレギュレートされたとして同定されたトップ遺伝子を提供し、これは前立腺癌の全てのサンプルを含む直線回帰によって計算され、表 9 でのように番号づけられる。表 1 1 は、その発現が、サンプルを同定し、または特徴付けるための方法において試験可能である、例示遺伝子を同定し、また、そのような遺伝子発現同定のために利用可能な、プローブ I D を同定する。

【0168】

表 1 2 は、再発患者の前立腺間質において、ダウンレギュレートされたとして同定された、トップ 1 4 4 の遺伝子を提供し、これは、検出可能な腫瘍細胞を持たなかったサンプルのみを含む直線回帰によって計算され、表 9 でのようにランキングしている。いくつかの実施形態において、表 1 3 は、腫瘍のないサンプルのみが、前立腺癌の場合より試験された場合に、再発患者の前立腺間質において、アップレギュレートされたとして同定された、トップ 1 0 0 の遺伝子を提供している。したがって、表 1 2 および 1 3 は、間質中の遺伝子を、前立腺腫瘍の再発、攻撃性および不活性さのような、予後を決定するために使用可能であることを示唆している。

【0169】

表 1 5 は、本明細書で提供された遺伝子のスプライス バリエーションを提供している。各々の列は、遺伝子中のエキソンの最初と最後の残基を同定する数字の 1 つもしくはそれ以上の対を同定し、ここで、対中の数字は、カンマでわけられ、異なる対は、セミコロンによってわけられる。表 1 5 はまた、ポリペプチドへの、遺伝子の翻訳の開始および終止部位も提供している。当該分野で理解されるであろうように、多重スプライシングの組み合わせが、いくつかの遺伝子に関して提供される。当業者は、スプライスされた m R N A 転写物のヌクレオチド配列を産生するために、表 1 5 で考えられたスプライシング、および本明細書で列記されたヌクレオチド配列を適用可能である。当業者はまた、表 1 5 で考えられたスプライシング、および本明細書で列記されたヌクレオチド配列を、スプライスされた転写物から翻訳されたポリペプチドのアミノ酸配列を産生するために、適用可能である。遺伝子の S E Q I D N O、または遺伝子中に含まれるヌクレオチドの S E Q I

D N Oを参照することによる、（遺伝子の産物への参照を含む）1つもしくはそれ以上の遺伝子への、本明細書での参照はまた、表15に従って、相当するS E Q I D N Oに関する、サプライスされた遺伝子配列への参照を企図する。同様に、1つもしくはそれ以上のタンパク質遺伝子産物への本明細書での参照はまた、表15で同定されるサプライス バリエーションから翻訳されたタンパク質を企図する。

【0170】

表14は、攻撃性前立腺癌における差違発現に関する、35の（固有ではない）遺伝子のリストを提供している。ここで同定された細胞特異的遺伝子のうち（たとえば、表8～10を参照のこと）、攻撃性前立腺癌の指標であるとは先には知られていなかったものが、本明細書で企図されている。たとえば、表14は、ここで同定された遺伝子の内でも見られている（たとえば、表9～10を参照のこと）、攻撃性前立腺癌に関連する遺伝子を列記している。したがって、表14に存在しない、表1～13および15～17の、本明細書で企図された全ての遺伝子が、その差違発現が、（相当する表に従って）前立腺癌の指標であり得る遺伝子として、本明細書で同定された遺伝子を表す。たとえば、早期再発前立腺癌の腫瘍細胞（表9）または間質細胞（表10）による、早期再発前立腺癌にて統計学的に有意に異なって発現した細胞特異的遺伝子は、試験した前立腺組織が、たとえば、早期再発した、または攻撃性疾患または不活性疾患のパターンと、遺伝子発現において同様であるかどうかを決定するために、本明細書で記載した方法によって、前立腺組織の遺伝子発現の試験における使用のために、遺伝子のパネルまたはプロファイルを形成するために、個々に、または組み合わせで使用した場合に、バイオマーカーである。マーカーとして単独で使用する場合、本明細書で提供された方法、組織およびキットは、表14で同定した遺伝子を除く。組み合わせで使用する場合、表14で同定された遺伝子もまた、それらの2つの遺伝子のみの組み合わせでのP S AおよびP M S Aの利用を除き、本明細書で提供される方法、組み合わせ、組成物およびキットで利用可能である。

【0171】

その産物が、本明細書で提供される方法にて検出可能である遺伝子の、例示的かつ非限定例には、I G F-1、マイクロシミノタンパク質、およびM T A-1が含まれる。1つの実施形態において、1つもしくはそれ以上のこれらの遺伝子の発現の検出が、配列番号1～38, 826にて提供される配列を含む1つもしくはそれ以上のさらなる遺伝子の発現の検出との組み合わせで実施可能である。

【0172】

プローブの利用および表中で同定された遺伝子の検出が本明細書で記載されており、以下で例示されている。以下で例示されたものと同様の利用および方法を、本明細書で提供された教示に従って、プローブおよび遺伝子ヌクレオチド配列に適用可能であることが、本明細書で意図される。

。

【0173】

配列番号1～38, 826のヌクレオチドと、少なくとも60%、70%、75%、80%、81%、82%、83%、84%、85%、86%、87%、88%、89%、90%、91%、92%、93%、94%、95%、96%、97%、98%または99%配列同一性をもつ、または、穏やかな、または高ストリンジェンシーの条件下で、ヌクレオチドに対して、その全長、または全長核酸の少なくとも約70%、80%または90%にわたって、ハイブリダイズする、核酸分子も提供される。いくつかの実施形態において、配列番号1～38, 826から選択されたヌクレオチド配列は、配列番号35, 580～38, 826から選択される。

【0174】

単離核酸は、少なくとも10ヌクレオチド、25ヌクレオチド、50ヌクレオチド、100ヌクレオチド、150ヌクレオチド、または200ヌクレオチドもしくはそれ以上の、配列番号1～38, 826で提供された配列の連続ヌクレオチドを含みうる。他の実施形態において、核酸は、長さにして、35、200または500ヌクレオチドよりも小さ

い。いくつかの実施形態において、配列番号 1～38, 826 から選択されたヌクレオチド配列は、配列番号 35, 580～38, 826 から選択される。

【0175】

プローブまたはプライマーとして利用可能であり、少なくとも約 10 ヌクレオチド、少なくとも約 14 ヌクレオチド、少なくとも約 16 ヌクレオチド、または少なくとも約 30 ヌクレオチドを含む、上記核酸のフラグメントも提供される。プローブまたはプライマーの長さは、プローブ化されたゲノムの大きさの関数であり、よりゲノムが長ければ長いほど、単一部位への特異的ハイブリッド形成のために必要なプローブまたはプライマーはより長くなる。当業者は、適切な大きさのプローブおよびプライマーを選択可能である。記載されたようなプローブおよびプライマーは、一本鎖でありうる。使用されるときに変性する場合に、二本鎖プローブおよびプライマーも利用可能である。核酸分子から由来するプローブおよびプライマーが提供される。そのようなプローブおよびプライマーは、少なくとも 8、14、16、30、100 もしくはそれ以上の連続ヌクレオチドを含む。プローブおよびプライマーは、放射活性標識または蛍光タグのような、検出可能な標識で任意に標識化可能であり、または質量分析または他の方法による検出のために、質量区別可能である。配列番号 1～38, 826 で提供されたヌクレオチドに相補的である、分子の配列を含む、単離核酸分子も提供される。RNA i のような、二本鎖 RNA (dsRNA) も提供される。いくつかの実施形態において、配列番号 1～38, 826 から選択されたヌクレオチド配列は、配列番号 35, 580～38, 826 から選択される。

【0176】

核酸分子を含むプラスミドおよびベクターも提供される。コードされたタンパク質を発現する細胞を含む、ベクターを含む細胞が提供される。細胞は、細菌細胞、酵母細胞、真菌細胞、植物細胞、昆虫細胞または動物細胞でありうる。

【0177】

配列番号 1～38, 826 にて提供されたヌクレオチド配列を含む、1つもしくはそれ以上の遺伝子の組み換え体発現のために、すべてまたは一部の、遺伝子をコードするヌクレオチド配列を含む核酸を、適切な発現ベクター、すなわち、挿入されたタンパク質コード配列の転写および翻訳のための要素を含むベクター内に挿入可能である。いくつかの実施形態において、配列番号 1～38, 826 から選択されたヌクレオチド配列は、配列番号 35, 580～38, 826 から選択される。転写および翻訳シグナルもまた、遺伝子のための天然のプロモーター、および／または遺伝子の隣接領域によって提供されうる。

【0178】

配列番号 1～38, 826 にて提供された配列を含む遺伝子をコードする核酸を含む、ベクターも提供される。いくつかの実施形態において、配列番号 1～38, 826 から選択されたヌクレオチド配列は、配列番号 35, 580～38, 826 から選択される。前記ベクターを含む細胞も提供される。細胞には、原核および真核細胞が含まれ、ベクターは、その中で利用に好適である。

【0179】

ベクターを含む原核および真核細胞が提供される。そのような細胞には、細菌細胞、酵母細胞、真菌細胞、植物細胞、昆虫細胞および動物細胞が含まれる。細胞は、(a) コードされた遺伝子が、上述細胞によって発現される条件下で、上記細胞を増殖させる工程、およびついで (b) 発現された化合物を回収する工程、によって、オリゴヌクレオチドまたはポリペプチド遺伝子産物を産生するために利用可能である。

【0180】

種々の宿主-ベクター系を利用して、配列をコードするタンパク質を発現可能である。これらには、限定はしないが、ウイルス（たとえば、ワクシニアウイルス、アデノウイルスなど）に感染した哺乳動物細胞系、ウイルス（たとえばバキュロウイルス）に感染した昆虫細胞系、酵母ベクターを含む酵母のような微生物、またはバクテリオファージ、DNA、プラスミド DNA またはコスミド DNA を形質導入した細菌が含まれる。ベクターの発現要素は、その強さおよび特異性において、変化する。利用する宿主-ベクター系に依

存して、複数の好適な転写および翻訳要素の任意の1つを利用可能である。

【0181】

核酸フラグメントのベクターへの挿入に関して、当業者に公知の任意の方法を使用して、適切な転写／翻訳制御シグナルおよびタンパク質をコードする配列を含むキメラ遺伝子を含む、発現ベクターを構築可能である。これらの方法には、インビトロ組換え体DNAおよび合成技術、およびインビボ組換え体（遺伝的組換え）が含まれる。ポリペプチドをコードする核酸配列の発現は、遺伝子またはそのフラグメントが、組換え体DNA分子で形質導入した宿主内で発現されるように、第二核酸配列によって制御可能である。たとえば、タンパク質の発現を、当該分野で公知の任意のプロモーター／エンハンサーによって制御可能である。

【0182】

（タンパク質）

配列番号35, 580～38, 826で提供された遺伝子のタンパク質産物、誘導体および類似体を、当該分野で公知の種々の方法によって産生可能である。たとえば、一旦、そのようなポリペプチド、またはそのドメイン、フラグメントまたは誘導体を発現している組換え体細胞が同定されたらば、個々の遺伝子産物を、単離および解析可能である。これは、限定はしないが、産物の放射活性標識化と、続く、ゲル電気泳動、免疫アッセイ、マーカー標識化産物への架橋、およびタンパク質活性または抗体結合のアッセイを含む、タンパク質の物理的および／または機能的特性に基づくアッセイによって実施される。

【0183】

ポリペプチドを、カラムクロマトグラフィー（たとえば、イオン交換、アフィニティー、ゲル排除、逆送高圧および高速タンパク質液体）、分画遠心法、分画可溶性に制限はしないが含む、当該分野で公知の標準の方法（天然の供給源、または複合体またはタンパク質を発現している組換え体宿主細胞のいずれかから）によって、またはタンパク質の生成のために使用される、任意の他の標準技術によって、単離および精製可能である。機能的特性を、当該分野で公知の任意の好適なアッセイを用いて評価可能である。

【0184】

ポリペプチド配列の操作を、タンパク質レベルで実施可能である。たとえば、糖付加、アセチル化、リン酸化、アミド化、公知の保護／ブロック基による誘導体化、タンパク質分解開裂、抗体分子または他の細胞リガンドへの連結によって、翻訳の間、または翻訳後に、異なって改変される、ポリペプチドタンパク質、そのドメイン、その誘導体または類似体またはフラグメントも、本明細書で企図される。任意の複数の化学的改変を、限定はしないが、臭化シアン、トリプシン、キモトリプシン、パパイン、V8プロテアーゼ、NaBH₄、アセチル化、処方化、酸化、還元、ツニカマイシンおよび他のそのような薬剤の存在下での代謝的合成による、特異的化学的開裂を含む、公知の技術によって実施可能である。

【0185】

さらに、本明細書で提供されたポリペプチドのドメイン、類似体および誘導体を、化学的に合成可能である。たとえば、望むドメインを含むか、インビトロで望む活性を仲介する、本明細書で提供されるポリペプチドの一部分に相当するペプチドを、ペプチド合成器を用いることによって合成可能である。さらに、望むのならば、非古典的アミノ酸または化学的アミノ酸類似体を、ポリペプチド配列内に、置換または添加として導入可能である。非古典的アミノ酸には、限定はしないが、一般的なアミノ酸のD-アイソマー、 α -アミノイソブチル酸、4-アミノブチル酸、Abu、2-アミノイソブチル酸、 γ -イプシロン-Abu、 ϵ -Ahx、6-アミノヘキサノン酸、Aib、2-アミノイソブチル酸、3-アミノプロピオン酸、オルニチン、ノルロイシン、ノルバリン、ヒドロキシプロリン、サルコシン、チトルリン、システイン酸、 ϵ -ブチルグリシン、 ϵ -ブチルアラニン、フェニルグリシン、シクロヘキシルアラニン、 β -ベータ-アラニン、フルオロ-アミノ酸、 β -ベータ-メチルアミノ酸のようなデザイナーアミノ酸、Ca-メチルアミノ酸、Na-メチルアミノ酸、および一般的なアミノ酸類似体が含まれる。さらに、アミノ酸

は、D（右旋性）またはL（左旋性）でありうる。

【0186】

（スクリーニング方法）

本明細書で提供されるオリゴヌクレオチドまたはポリペプチド遺伝子産物を、その活性を調節する化合物を同定するために、種々の方法にて使用可能である。本明細書で提供するように、配列番号35, 580～38, 826で同定されたヌクレオチド配列および遺伝子を、異なる細胞型、および被験体が異なる表現型を持っている、同様の細胞型中で同定可能である。化合物をスクリーニングするために、本明細書で提供される方法には、細胞を、化合物と接触させる工程、および遺伝子発現レベルを測定する工程、が含まれ得、ここで、参照と比較した、発現レベルの変化が、化合物を、遺伝子発現を調節する化合物として同定する。

【0187】

配列番号35, 580～38, 826で同定された遺伝子の産物に結合する化合物のような、薬剤の同定および単離のための方法もまた、本明細書で提供される。アッセイを、RNAまたはポリペプチド遺伝子産物に結合する薬剤を同定するために設計する。同定された化合物は、腫瘍および他の疾患および障害の処置のための化合物の同定に対する、候補であるか、またはリードである。

【0188】

種々の方法を、当該分野で公知のように、利用可能である。これらの方法は、溶液中、または固相反応中で実施可能である。

【0189】

配列番号35, 580～38, 826で同定された遺伝子によってコードされた、オリゴヌクレオチドまたはポリペプチドに特異的に結合する、化合物のような、薬剤を同定するための方法が、本明細書で提供される。本方法は、（a）遺伝子産物を、1つまたは複数の試験試薬と、前記遺伝子産物および試薬間で結合が構築されうる条件下で、接触させる工程、および（b）1つまたは複数の、遺伝子産物に特異的に結合するものの中で、1つもしくはそれ以上の試薬を同定する工程、によって実施可能である。同定されるべき化合物または薬剤は、生物学的サンプルから、または、限定はしないが、コンビナトリアルライブラリーを含む、ライブラリーから由来しうる。例示的なライブラリーは、無作為ペプチドまたはタンパク質が、ファージ粒子の表面、またはプラスミドから発現したタンパク質上に発現している、融合タンパク質－提示ペプチドライブラリー、個々の化合物または化合物の混合物が、レジンビーズのような、不溶性マトリックス上に提示されている、支持体－結合合成化学ライブラリー、または当該分野で公知の他のライブラリーでありうる。

【0190】

（遺伝子産物の活性の調節因子）

配列番号35, 580～38, 826からの遺伝子産物の活性を調節する化合物が、本明細書で提供される。これらの化合物は、ポリペプチドに直接相互作用することによって、またはその転写または翻訳を変化させることによって働く。そのような分子には、限定はしないが、ポリペプチドに特異的に結合する抗体、ポリペプチドの発現を変える、RNAiのような、アンチセンス核酸または二本鎖RNA（dsRNA）、抗体、ペプチドミメティックスおよび他のそのような化合物が含まれる。

【0191】

本明細書で提供されるポリペプチド遺伝子産物に特異的に結合する、ポリクローナルおよびモノクローナル抗体を含む抗体が提供される。抗体は、モノクローナル抗体であり得、抗体は、ポリペプチドに特異的に結合可能である。ポリペプチドおよびそのドメイン、フラグメント、相同物および誘導体を、免疫原として、そのような免疫原に特異的に結合する抗体を産生するために、使用可能である。そのような抗体には、限定はしないが、ポリクローナル、モノクローナル、キメラ、一本鎖、Fabフラグメント、およびFab発現ライブラリーが含まれる。特定の実施形態において、ヒトポリペプチドに対する抗体が

産生される。モノクローナルおよびポリクローナル抗体産生のための方法が、当該分野で公知である。ポリペプチドまたはそのエピトープに特異的に結合する抗体フラグメントが、当該分野で公知の技術によって産生可能である。たとえば、そのようなフラグメントには、限定はしないが、抗体分子のペプシン消化によって産生可能な、F (a b ') 2 フラグメント、F (a b ') 2 フラグメントのジスルフィド結合を還元することによって産生可能な F a b ' フラグメント、パパインおよび還元試薬で、抗体分子を処理することによって産生可能な F a b フラグメント、および F v フラグメントが挙げられる。

【0192】

ペプチド類似体が、鑄型ペプチドのものと類似である特性を有する、非ペプチド薬物として、薬理的産業にて一般的に利用される。これらの型の非ペプチド化合物は、ペプチドミメティックスまたはペプチドミメティクスと呼ばれる (Luthman et al., A Textbook of Drug Design and Development, 14:386-406, 2nd Ed., Harwood Academic Publishers (1996); Joachim Grante (1994) Angew. Chem. Int. Ed. Engl., 33:1699-1720; Fauchere (1986) J. Adv. Drug Res., 15:29; Veber and Freidinger (1985) TINS, p. 392, および Evans et al. (1987) J. Med. Chem. 30:1229)。構造的に、治療的に有用なペプチドと同様であるペプチドミメティクスを、等しいまたは増強された、治療的または予防的効果を産生するために使用可能である。ペプチドミメティクスおよびその構造物の調製が、当該分野の当業者に公知である。

【0193】

(予後および診断)

配列番号 35, 580~38, 826 中の遺伝子の産物を、腫瘍および他の疾患または障害の診断のような、診断方法にて検出可能である。そのような方法は、種々の状態、疾患、および障害を検出、予後、診断、またはモニタするために使用可能である。そのような検出方法にて利用可能な例示化合物には、配列番号 35, 580~38, 826 の遺伝子によってコードされたポリペプチドに特異的に結合する、抗体またはそのフラグメントのような、ポリペプチド、配列番号 35, 580~38, 826 の遺伝子によってコードされた、RNA のようなオリゴヌクレオチドに特異的に結合する DNA プローブまたはプライマーのようなオリゴヌクレオチドが含まれる。

【0194】

配列番号 1~38, 826 にて提供されたヌクレオチド配列、その相補体、そのフラグメント、またはそれによってコードされたポリペプチドを含むマーカーの検出のための 1 つもしくはそれ以上、または 2 つもしくはそれ以上の化合物のセットを、本明細書で提供される任意の種々のアッセイ方法のために選択可能である。たとえば、1 つもしくはそれ以上、または 2 つもしくはそれ以上のそのような化合物を、診断的、または予後的指標として選択可能である。そのような化合物を選択し、そのような化合物を診断的、または予後的指標として使用するための方法が、当該分野で公知である。たとえば、本明細書で提供される表は、各マーカーに関連した、改変 t 統計値を列記しており、ここで、改変 t 統計値が、前立腺サンプル中の特定の細胞型の存在または不在を (改変 t 統計値に従って、マーカーの存在または不在によって) 示す、関連マーカーの能力を示す。

【0195】

別の実施形態において、マーカー選択は、特定のマーカーに関する、改変 t 統計値と、予想されるシグナル強度両方を考慮して実施可能である。たとえば、マーカーは、その存在または不在が、決定されるべきである細胞型において、強力なシグナルを持ち、そのような細胞型中での遺伝子発現に関して、十分大きな改変 t 統計値を有するように選択可能である。また、マーカーは、その存在または不在が検出されるべきである細胞型にて、わずかまたは全くシグナルを持たず、その細胞型中の遺伝子発現に関して、十分大きな陰性改変 t 統計値を有するように選択可能である。

【0196】

例示的アッセイには、ウェスタンブロット、ラジオイムノアッセイ、E L I S A（酵素免疫吸着測定法）、サンドイッチ免疫アッセイ、免疫沈降アッセイ、沈降反応、ゲル内沈降反応、免疫拡散法、凝集アッセイ、補体結合アッセイ、免疫放射定量測定法、蛍光免疫アッセイおよびタンパク質A免疫アッセイのような技術を用いる、競合的および非競合的アッセイ系のような、免疫アッセイが含まれる。他の例示的アッセイには、特定のハイブリッド形成が起こりうる条件下で、核酸を含むサンプルを、核酸プローブに接触させる工程、および任意の得られたハイブリッド形成を検出または測定する工程、による方法によって実施可能である、ハイブリッド形成アッセイが含まれる。

【0197】

診断的利用のためのキットも、1つもしくはそれ以上の容器内に、抗ポリペプチド抗体、および任意に、抗体に対する標識化結合パートナーを含んで、提供される。キットはまた、1つもしくはそれ以上の容器内に、遺伝子をコードする核酸にハイブリッド形成可能な核酸プローブを含んで提供される。特定の実施形態において、キットは、1つもしくはそれ以上の容器内に、プライミング増幅可能である、（たとえばそれぞれ、6～30ヌクレオチドの範囲の大きさでの）プライマーの対を含みうる。キットはまた、任意にさらに、1つの容器内に、先に決定された量の、精製されたコントロールポリペプチドまたは核酸を含みうる。

【0198】

キットは、本発明の核酸プローブまたはプライマー、などのような、キットの成分を収納するために使用する、1つもしくはそれ以上の物理的構造物である、パッケージング物質を含みうる。パッケージング物質は、よく公知の方法によって構築され、無菌、夾雑物なしの環境を提供可能である。パッケージング物質は、化合物が、特定のオリゴヌクレオチドまたはポリペプチドを検出するために利用可能であることを示すラベルを有する。診断系に関して、本明細書で使用するパッケージング物質は、核酸またはタンパク質ベースの診断系において、習慣的に利用されるものである。パッケージは、固体マトリックス、またはガラス、プラスチック、紙、ホイルのような物質などであり、固定化された境界線内に、本発明の単離核酸、オリゴヌクレオチド、またはプライマーを維持可能である。したがって、たとえば、パッケージは、ミリグラム量の企図される核酸、オリゴヌクレオチドまたはプライマーを含むように使用するガラスバイアルであり得、またはマイクログラム量の企図された核酸プローブが、作動可能に固定化されるマイクロタイタープレートウェルでありうる。キットはまた、使用のための取り扱い説明書を含み、それには、試薬濃度、または、混合されるべき試薬およびサンプルの相対量、試薬／サンプル混合のための維持時間間隔、温度、緩衝液条件などの少なくとも1つのアッセイ方法パラメータを記載している実現可能な表現が含まれうる。

【0199】

（薬学的組成物および投与の様式）

配列番号35，580～38，826中の遺伝子の発現を調節するか、または、遺伝子産物に結合する同定された化合物を含む薬学的組成物が、本明細書で提供される。そのような化合物と、他の処置または、化学治療化合物のような、疾患または障害の処置のための化合物の組み合わせもまた提供される。

【0200】

発現調節因子または結合化合物および他の化合物を、一緒に、連続して、または断続的に投与するために、分離組成物としてパッケージ可能である。あるいは、これらを、投与のための単一組成物として、または単一組成物として投与するための2つの組成物として、提供可能である。組み合わせを、キットとしてパッケージ可能である。

【0201】

本明細書で提供された化合物および組成物を、たとえば、単一量投与のために、薬学的組成物として処方可能である。処方中の化合物の濃度は、投与に際して、意図する処置のための有効量の送達のために効果的である。ある実施形態において、組成物は、単一量投

与のために処方される。組成物を処方するために、化合物またはその混合物の重量画分は、処置された条件が軽減または緩和されるような、効果的な濃度で、選択された賦形剤内で、溶解、懸濁、分散または混合される。本明細書で提供される化合物の投与のために好適な医薬キャリアーまたは賦形剤には、特定の投与様式に対して好適であるべき、当業者に公知の任意の担体が含まれる。

【0202】

さらに、化合物を、組成物中の、単一の薬理的に活性な成分として処方可能であり、または他の活性成分と組み合わせることができる。活性化合物を、処置した被験体において、望ましくない副作用がない状態で、治療的に有用な効果を達成するのに十分な量で、薬学的に受容可能な担体中に含める。治療的に効果的な濃度は、公知のインビトロおよびインビボ系にて、化合物を試験することによって、実験的に決定可能である。薬物組成物中の活性化合物の濃度は、前記活性化合物の吸収、不活性化および排出速度、前記化合物の生理化学的特徴、投薬スケジュール、および投与量ならびに当業者に公知の他の因子に依存する。薬学的に受容可能な誘導体には、酸類、塩類、エステル類、水酸化物類、溶媒類、プロドラッグ形態が含まれる。誘導体は、その薬物動態学的特性が、相当する天然の化合物よりも優れるように選択可能である。化合物は、処置が企図される障害を緩和するため、または処置するために有効量で含まれる。

【0203】

非経口、筋肉内、皮下、食事性、経皮、吸入および他の公知の投与方法のような、種々の投与に対して好適な処方が、当該分野で公知である。薬学的組成物はまた、制御放出方法および／または当該分野で公知のような送達器具によって投与可能である。組成物および／またはその投与のための取扱説明書との組み合わせを含むキットが提供される。本キットはさらに、複合体を注射するための、無菌状態でパッケージ可能な、ニードルまたはシリンジ、および／またはパッケージされたアルコールパッドを含みうる。取扱説明書は、任意に、臨床家による、または患者による、活性試薬の投与のために含まれる。

【0204】

化合物は、パッケージング物質、パッケージング物質内の、本明細書で企図された疾患または障害の処置のために効果的である、本明細書で提供された化合物またはその好適な誘導体、および化合物またはその好適な誘導体が、本明細書で企図された疾患または障害を処置するためであることを示すラベルを含む、製造の物品としてパッケージ可能である。ラベルは、治療が保証される障害を任意に含みうる。

【0205】

(処置の方法)

本明細書で提供された化合物を、ヒトを含む、哺乳動物のような、動物における疾患または障害を処置するため、または予防するために利用可能である。1つの実施形態において、方法には、哺乳動物に、有効量の、配列番号35, 580~38, 826にて提供された遺伝子の発現を仲介する化合物、または配列番号35, 580~38, 826にて提供された遺伝子の産物に結合する化合物を投与する工程であって、それによって疾患または障害が処置されるか、予防されることが含まれる。本明細書で提供された例示阻害物は、スクリーニングアッセイによって同定されたものである。さらに、抗体およびアンチセンス核酸、またはRNAiのような、二本鎖RNA(dsRNA)も企図される。

【0206】

特定の実施形態において、本明細書以上で記載したように、遺伝子発現を、アンチセンス核酸によって阻害可能である。遺伝子またはcDNAに対するアンチセンスである、少なくとも6ヌクレオチド、約150までのヌクレオチドの核酸の、治療的または予防的利用が提供される。アンチセンス分子は、遺伝子のすべて、または一部に相補的であり得る。たとえば、オリゴヌクレオチドは、少なくとも10ヌクレオチド、少なくとも15ヌクレオチド、少なくとも100ヌクレオチド、または少なくとも125ヌクレオチドである。オリゴヌクレオチドは、DNAまたはRNAまたはキメラ混合物、またはその誘導体または改変バージョン、一本鎖または二本鎖でありうる。オリゴヌクレオチドは、塩基部位

、糖部位、またはリン酸骨格にて改変可能である。オリゴヌクレオチドは、ペプチドのような他の付加基、または細胞膜を介した輸送を促進する試薬、ハイブリッド形成開始開裂試薬またはインターカレート試薬を含みうる。

【0207】

RNA干渉(RNAi)(たとえば、Chuang et al. (2000) Proc. Natl. Acad. Sci. U. S. A. 97:4985を参照のこと)を、配列番号35, 580~38, 826にて提供される遺伝子の発現を阻害するために利用可能である。二本鎖(ds)RNAiのような、干渉RNA(RNAi)フラグメントを、遺伝子機能欠損を産生するために使用可能である。哺乳動物、C. エレガンス(C. elegans)、ハエ(Drosophila)および植物、およびヒトを含む、生物内で遺伝子をサイレンスにするための、RNAiの利用に関する方法が公知である。二本鎖RNA(dsRNA)発現構築物を、エピソームに残るか、ゲノム内に統合する、複製可能ベクターを用いて、動物または植物のような宿主内に導入する。適切な配列を選択することによって、dsRNAの発現を、内因性mRNAの蓄積によって干渉可能である。RNAiはまた、インビトロでの発現を阻害するために使用可能である。領域には、選択された遺伝子に対して選択性(すなわち固有)であり、RNAiを調製するために使用する、少なくとも約21(または21)ヌクレオチドを含む。約21ヌクレオチドのより小さなフラグメントを、細胞内に直接(すなわち、インビトロまたはインビボで)形質導入可能であり、より大きなRNAi dsRNA分子を、それらをコードするベクターを用いて導入可能である。dsRNA分子は、50、100、150、200およびそれ以上長いような、少なくとも約21bp長もしくはそれ以上である。核酸分子を、インビトロおよびインビボで、細胞内に導入するための方法、試薬およびプロトコールは、当業者に公知である。

【0208】

例示的な実施形態において、配列番号35, 580~38, 826にて提供された遺伝子のポリペプチドをコードするヌクレオチドの配列を含む核酸を、遺伝子治療の目的で、ポリペプチドの機能を促進するために投与する。遺伝子治療は、被験体への核酸の投与によって達成される治療を意味する。本実施形態において、核酸は、ポリペプチド機能を促進することによって、治療的効果を仲介する、そのコードしたタンパク質を産生する。当該分野で利用可能な遺伝子治療に対する、任意の方法を利用可能である(Goldspiel et al., Clinical Pharmacy 12:488-505(1993); Wu and Wu, Biotherapy 3:87-95(1991); Tolstoshev, Av. Rev. Pharmacol. Toxicol. 32:573-596(1993); Mulligan, Science 260:926-932(1993)、およびMorgan and Anderson, An. Rev. Biochem. 62:191-217(1993)、TIBTECH 11(5):155-215(1993)を参照のこと)。

【0209】

1つの実施形態において、本明細書で提供された遺伝子およびポリペプチドに基づくワクチンを開発可能である。たとえば、遺伝子をDNAワクチンとして、単一遺伝子または遺伝子の組み合わせいずれかで投与可能である。裸のDNAワクチンが、一般的に当該分野で公知である。DNAワクチンとしての遺伝子の使用のための方法が、当業者によく知られており、癌を患う患者での発現のためのプロモーターの制御下、遺伝子または遺伝子の部分を配置することを含む。DNAワクチンのために使用する遺伝子は、全長タンパク質をコード可能であるが、タンパク質から由来したペプチドを含む、タンパク質の一部をコード可能である。たとえば、患者を、特定の遺伝子から由来した複数のヌクレオチド配列を含むDNAワクチンで免疫化可能である。他の実施形態において、患者を、複数の遺伝子またはその部分で免疫化することが可能である。理論にとらわれずに、DNAワクチンによってコードされたポリペプチドの発現、細胞傷害性T細胞、ヘルパーT細胞および抗体が、誘導され、本明細書で提供されたタンパク質を発現している細胞を認識し、破壊

または削除する。

【0210】

DNAワクチンには、DNAワクチンとアジュバント分子をコードする遺伝子が含まれる。そのようなアジュバント分子には、DNAワクチンによってコードされたポリペプチドに対する免疫学的応答を増加するサイトカインが含まれる。さらなるまたは異なるアジュバントが、当業者に公知であり、本発明での利用が見いだされる。

【0211】

(動物モデルおよびトランスジェニック)

本明細書で開示された遺伝子のヌクレオチド、ヌクレオチド分子およびポリペプチドが、リンパ腫およびカルシノーマのような、癌の動物モデルを産生することにおける利用が見いだされることも、本明細書で提供される。当業者に理解されるであろうように、本明細書で提供された遺伝子の1つが抑制または減少する場合、アンチセンスRNAが遺伝子に指向した、遺伝子治療技術がまた、遺伝子の発現を減少または抑制しうる。そのように産生された動物が、生物活性薬物候補をスクリーニングすることにおける利用が明らかである動物モデルとして役に立つ。他の実施形態において、たとえば、適切な遺伝子ターゲティングベクターとの相同組換えの結果としての、遺伝子ノックアウト技術が、結果としてタンパク質の不在となりうる。望む場合、タンパク質の組織特異的発現またはノックアウトを、公知の方法を用いて達成可能である。

【0212】

タンパク質が、癌において過剰発現する可能性もある。そのような場合、トランスジェニック動物を、タンパク質を過剰発現するように産生可能である。望む発現レベルに依存して、種々の強度のプロモーターを利用して、トランスジーンを発現させることが出来る。また、統合したトランスジーンのコピー数を、トランスジーンを発現レベルの決定のために、測定し、比較することが可能である。そのような方法によって産生された動物を、動物モデルとして利用可能であり、さらに、癌を処置するための、生物活性分子に関するスクリーニングにおいて有用である。

【0213】

(コンピュータプログラムおよび方法)

本明細書で提供された、種々の技術、方法、および方法の観点を、部分的に、または全体で、コンピュータに基づく系および方法を用いて実行可能である。他の実施形態において、コンピュータに基づく系および方法を、以上で記載した機能性を増加させるまたは増強するため、機能が達成可能である速度を増加させるため、およびさらなる特徴および観点を、本明細書の他の部分で記載した本発明の一部として、またはそれに加えて提供するために使用可能である。種々のコンピュータに基づく系、方法および以上で記載した技術にしたがった実施が、以下で示されている。

【0214】

プロセッサベースのシステムには、ランダムアクセスメモリー(RAM)のような主要メモリが含まれ得、また二次メモリも含まれうる。二次メモリには、たとえば、ハードディスクドライブ、および／または、フロッピー(登録商標)ディスクドライブ、磁気テープドライブ、および光学ディスクドライブなどが代表する、リムーバブル保存ドライブが含まれ得る。リムーバブル保存ドライブは、リムーバブル保存メディアから読み取り、および／またはそれに書き込む。リムーバブル保存メディアは、フロッピー(登録商標)ディスク、磁気テープ、光学ディスクなどを意味し、リムーバブル保存ドライブによって読まれ、またにそれによって書き込まれる。理解されるであろうように、リムーバブル保存メディアは、コンピュータソフトウェアおよび／またはデータを含むことが出来る。

【0215】

代替的な実施形態において、二次メモリは、コンピュータプログラムまたは他の指示が、コンピュータシステムにロードされることを可能にするための、他の同様の方法を含むうる。そのような方法には、たとえば、リムーバブル保存ユニットおよびインターフェースが含まれうる。リムーバブル保存ユニットおよびインターフェースの例としては、ソフ

トウェアおよびデータを、リムーバブル保存ユニットからコンピュータシステムに移動可能にする、（ビデオゲーム器具にてみられるような）プログラムカートリッジおよびカートリッジインターフェース、（E P R O MまたはP R O Mのような）移動可能メモリーチップおよび関連ソケット、および他のリムーバブル保存ユニットおよびインターフェースが含まれうる。

【0216】

コンピュータシステムにはまた、コミュニケーション インターフェースが含まれうる。コミュニケーション インターフェースは、ソフトウェアおよびデータを、コンピュータシステムと外部器具間に伝達させる。コミュニケーション インターフェースの例には、モデム、（たとえば、E t h e r n e t（登録商標）カードのような）ネットワーク インターフェース、コミュニケーションポート、P C M C I Aスロットおよびカードなどが含まれうる。コミュニケーション インターフェースを介して伝達されたソフトウェアおよびデータは、シグナルの形態であり、電氣的、電磁氣的、光学的または、コミュニケーション インターフェースによって受領されうる他のシグナルであり得る。これらのシグナルは、シグナルを運搬可能なチャンネルを介してコミュニケーション インターフェースに提供され、ワイヤレス メディア、ワイヤーまたはケーブル、光ファイバーまたは他のコミュニケーション メディアを用いて実行されうる。チャンネルのいくつかの例には、電話線、携帯電話リンク、R Fリンク、ネットワーク インターフェース、および他のコミュニケーション チャンネルが含まれうる。

【0217】

本明細書にて、語句コンピュータ プログラム メディアおよびコンピュータ利用可能メディアは、一般的に、リムーバブル保存器具、ディスクドライブ中にインストール可能なディスクおよびチャンネル上のシグナルのようなメディアを意味するために使用されている。これらのコンピュータプログラム製品は、コンピュータシステムに、ソフトウェアまたはプログラム説明書を提供するための方法である。

【0218】

コンピュータプログラム（またコンピュータ制御ロジックともよばれる）を、主要メモリおよび／または二次メモリ内に保存する。コンピュータプログラムはまた、コミュニケーション インターフェースを介して受領可能でもある。実行される場合、そのようなコンピュータプログラムによって、コンピュータシステムが、本明細書で議論したような、本発明の特徴を実行する。とりわけ、実行される場合、コンピュータプログラムによって、プロセッサが、本発明の特徴を実施する。したがって、そのようなコンピュータプログラムは、コンピュータシステムのコントローラーを表す。

【0219】

要素がソフトウェアを用いて実施される実施形態において、前記ソフトウェアは、コンピュータプログラム製品中に保存されるか、またはコンピュータプログラム製品を介して伝達され、リムーバブル保存装置、ハードドライブまたはコミュニケーション インターフェースを用いて、コンピュータシステム内にロードされうる。プロセッサによって実行される場合、制御ロジック（ソフトウェア）によって、プロセッサが、本明細書で記載したような、本発明の機能を達成する。

【0220】

別の実施形態において、要素が、たとえば、P A Lのようなハードウェア コンポーネント、特定用途向け集積回路（A S I C）または他のハードウェア コンポーネントのような、ハードウェア コンポーネントを用いて、ハードウェア内で実施される。本明細書で記載した機能を実施するための、ハードウェア状態マシンの実施は、関連技術分野の当業者に明らかであろう。また他の実施形態において、要素は、ハードウェアおよびソフトウェア両方の組み合わせを用いて実施される。

【0221】

別の実施形態において、コンピュータに基づく方法を、本発明の方法へのウェブページを介してのアクセスを提供することによって、W o r l d W i d e W e b上でアクセ

ス可能であり、または実施可能である。したがって、ウェブページは、Universal Resource Locator (URL) によって同定される。URLは、サーバマシンと、そのマシン上の特定のファイルまたはページ両方を意味する。本実施形態において、コンシューマーまたはクライアントコンピュータシステムが、特定のURLを選択するためにブラウザと交信し、ついで、ブラウザが、そのURLまたはページに対するリクエストを、URLで同定されたサーバに送ることを想定する。サーバは、リクエストされたページを読み出し、リクエストしているクライアントコンピュータシステムに対して、そのページに関するデータを送り返すことによって、リクエストに応答可能である（クライアント／サーバ・インターアクションは、ハイパーテキスト転送プロトコール（HTTP）に従って実施されうる）。選択されたページが、ついでクライアントのディスプレイスクリーン上で、ユーザーに表示される。ついで、クライアントが、本発明のコンピュータプログラムを含むサーバに、たとえば、本明細書で提供された方法にしたがった解析を実施するために、アプリケーションを立ち上げてよい。

【0222】

（前立腺関連遺伝子）

被験体中の前立腺癌の存在、および／または不在の指標であり得る、プローブおよび遺伝子配列が、本明細書で提供される。被験体中の良性前立腺肥大（BPH）の存在、および／または不在の指標であり得る、プローブおよび遺伝子配列も、本明細書で提供される。前立腺癌の予後の指標でありうるプローブおよび遺伝子配列もまた、本明細書で提供され、ここで、そのような予後には、前立腺癌の再発の可能性、前立腺癌の攻撃性の可能性、前立腺癌の不活性さ可能性、被験体の生存の可能性、前立腺癌を処置することの成功の可能性、特定の治療計画が、他の治療計画よりも、効果的であり得る条件、およびこれらの組み合わせが含まれうる。1つの実施形態において、プローブおよび遺伝子配列は、前立腺癌の攻撃性または不活性さの可能性の指標であり得る。

【0223】

本明細書の方法および表にて提供されるように、プローブが、サンプル中の前立腺腫瘍、BPHおよび間質の存在または不在に従って、異なるレベルで、前立腺サンプルの1つもしくはそれ以上の核酸にハイブリダイズすると同定されてきた。本明細書で提供されたプローブは、前立腺サンプル中の特定の細胞型の存在または不在を示す、該特定のプローブの能力をあらわす、改変t統計値との組み合わせで列記されている。そのような決定のための、改変t統計値の利用が、本明細書の他の部分で記載されており、改変t統計値の一般的な利用が、当該分野で公知である。したがって、前立腺腫瘍および／またはBPH細胞の存在または不在の指標であり得、また、被験体中の前立腺腫瘍の再発の可能性の指標であり得る、プローブのヌクレオチド配列が本明細書で提供される。

【0224】

本明細書の方法および表にて、本明細書で提供されたプローブと関連する、遺伝子および遺伝子産物のヌクレオチドおよび予想アミノ酸配列も提供される。したがって、本明細書で提供するように、遺伝子産物（たとえばmRNAまたはタンパク質）または、遺伝子発現の他の指標の検出が、前立腺腫瘍および／またはBPH細胞の存在または不在の指標であり得、また、被験体中の前立腺腫瘍再発の可能性の指標であり得る。プローブ配列同様、これらの遺伝子産物のヌクレオチドおよびアミノ酸配列が、前立腺サンプル中の特定の細胞型の存在または不在を示す、該特定の遺伝子産物または指標の能力をあらわす、改変t統計値との組み合わせで列記されている。

【0225】

前立腺腫瘍および／またはBPH細胞の存在、被験体中の前立腺腫瘍再発の可能性、前立腺癌の生存の可能性、前立腺腫瘍の攻撃性、前立腺腫瘍の不活性さ、生存、および前立腺腫瘍の他の予後を決定するための方法を、本明細書で提供された教示および実施例に従って、実施可能である。本明細書でまた提供される、プローブまたは遺伝子産物の対が、前立腺腫瘍および／またはBPH細胞の存在、および／または被験体中の前立腺腫瘍再発の可能性を決定する方法における、組み合わせでの使用のため（たとえばマイクロアレイ

での使用のため)に、それらの改変と統計値に従ってスクリーニング可能である。

【0226】

また本明細書で提供される、前立腺癌において、または癌の再発の可能性のある被験体において、増加したレベルで存在するとして同定された遺伝子産物が、治療的化合物および方法のための標的として役に立ちうる。たとえば、前立腺癌で増加したレベルで存在する遺伝子産物を標的化した、抗体または siRNA を、被験体に投与して、該遺伝子産物のレベルを減少させ、それによって、腫瘍細胞の悪性度、腫瘍細胞の攻撃性、腫瘍の不活性さ、生存または腫瘍再発の可能性を減少させることが可能である。被験体中の遺伝子産物のレベルを減少させるために、被験体に、抗体または siRNA のような分子を提供するための方法が、本明細書で提供され、また、当該分野で公知である。

【0227】

別の実施形態において、前立腺癌中、または癌の再発の可能性のある被験体中で、レベルが減少して存在するとして同定された遺伝子産物を、治療的化合物および方法のための対象として利用可能である。たとえば、特定の遺伝子をコードする遺伝子発現ベクターのような、核酸分子を、該遺伝子産物のレベルを増加させるため、およびそれによって、腫瘍細胞の悪性度、腫瘍細胞の攻撃性、腫瘍の不活性さ、生存の可能性または腫瘍再発の可能性を減少させるために、特定の遺伝子産物のレベルが減少した個体に投与可能である。被験体中の遺伝子産物のレベルを増加させるために、被験体に、遺伝子発現ベクターを提供するための方法は、本明細書で提供されており、または当該分野で公知である。

【0228】

以下の実施例は、例示的な目的のみのために含まれ、本発明の範囲を限定する意図はない。

【実施例】

【0229】

(実施例1)

(組織サンプル)。前立腺サンプルを、器官密閉前立腺癌を患っているとして、手術前にステージ決定された患者から得た。本プロジェクトへの参加のための、治験審査委員会が許可した、インフォームドコンセントを、すべての患者より得た。組織サンプルを、手術室にて回収し、切片を、機関病理学者に輸送した。機関病理学者は、肉眼で同定可能な新鮮な部分、または予想された腫瘍組織、および関連していない組織の別の部分を提供した。すべての組織を、受領に際して即遺伝子座に凍結し、 -22°C にて、冷凍切片調製のために使用するまで、液体窒素中で維持した。寄与した38例が、カルシノーマを含んだ。対となる隣接非腫瘍組織と、離れた腫瘍を含まない場合からなる、さらに50の追加サンプルもまた使用し、合計88の標本を解析のために作製した。発現解析のための組織を、 $20\mu\text{m}$ 厚連続凍結切開片として提供した。

【0230】

発現解析のための組織サンプルを、 $10\sim 400\text{mm}^3$ 切片として、 $10\mu\text{g}$ もしくはそれ以上の総RNAを得るために十分であるとわかった量として調製した。RNA調製の前に、 $5\mu\text{m}$ の冷凍切片を -22°C にて調製した。第一切片およびその後それぞれ $200\mu\text{m}$ 切片を、ヘマトキシリンおよびエオシンによって、組織病理学的検査のために染色し、すべての他の介在している切片を、RNA抽出のために、 $20\mu\text{m}$ 厚で調製した。典型的には、4名の病理学者が、標本あたり、4~8の薄切片を試験した。プレパラティブ($20\mu\text{m}$)切片を、RNA抽出緩衝液(RNeasy、Qiagen、Valencia, CA)中で溶解し、 -80°C にて保存した。この切片を、多角的顕微鏡を用いて、一つのセッション中で、4名の病理学者によって試験した。各病理学者は、各標本を評価し、全ての前立腺癌細胞、良性前立腺肥大(BPH)、上皮細胞、膨張腺(膨張嚢胞性萎縮)上皮細胞、および間質細胞の凝集によって占拠された区画の総面積の割合を示す標準化を完了した。腺内腔、浮腫、欠損などのクリアな空間は考慮されず、神経、血管、または他の成分のマイナーな割合を、他と記録した(中央値、3.1%)。4名の病理学者からの予想の平均割合を、各サンプルに関して、腫瘍の上皮細胞、BPHおよび嚢胞性腺、およ

び総間質細胞について計算した。

【0231】

(データ収集)。手術前およびフォローアップ人口統計および臨床変数、歴史的スコアリング、およびDNAアレイデータを、インターネットでアクセス可能な、安全なオラクル (Oracle) データベース内に収集した。本研究の各身体的対象に、固有の識別子を与え、サンプル、サブサンプル、患者およびデータ間の相関を維持した。

【0232】

(増幅およびGeneChipハイブリダイゼーション)。総細胞RNAを、RNaseyキット (Qiagen) を用いて単離し、RiboGreen蛍光アッセイ (Molecular Probes, Eugene, OR) によって定量し、調製物の品質を、BioAnalyzer 2100 (Agilent Technologies, Palo Alto, CA) を用いて試験した。cRNAの産生を、公知のAffymetrixプロトコルに従って実施した。簡単に記すと、二本鎖cDNAを、その5'末端にて、RNAポリメラーゼプロモーター配列を含む、精製オリゴ(dT)プライマーでの逆転写酵素を用いることによって、総RNAより合成した。第二cDNA鎖を、DNAポリメラーゼI、RNase HおよびDNAリガーゼを用いて合成した。二本鎖cDNAを、RNaseを含まない緩衝液中に入れた。標識化したcRNAを、インビトロ転写、およびビオチン化ヌクレオチドを組み込むことによって、cDNAより産生した。15 µgの得られたビオチン化cRNAをフラグメント化し、製造業者の取り扱い説明書に従って、U95Av2 GeneChip (登録商標) アレイAffymetrixにハイブリッド形成した。

【0233】

(データ解析)。アレイイメージ(.datファイル)を、MASバージョン5 (Affymetrix) を用いることによってデジタル化した。遺伝子発現値を、Li and Wong (Li and Wong, Proc. Natl. Acad. Sci. USA 98, 31-36, 2001) のdCHIPプログラムによって、得られた生数値(.celファイル)より産生した。ほとんどの続く解析を、一般化推定方程式に関するgee (gee) -ライブラリーを含むR環境および言語を用いることによって実施した (Ihaka and Gentleman, J. Comput. Graph. Stat. 5, 299-314, 1996; Zeger and Liang, Biometrics 42, 121-130, 1986)。二分変数 (腫瘍/非腫瘍) 間の差発現を、Efron et al. (J. Am. Stat. Assoc. 96, 1151-1160, 2001) における順列法の改変によって検出した。クラス予測遺伝子を、RソフトウェアのPAMパッケージを用いることによって、最も近い萎縮セントロイド法 (Nearest Shrunken Centroid 法) を介して同定した (Tibshirani et al. Proc. Natl. Acad. Sci. USA 99, 6567-6572, 2002)。

【0234】

(免疫組織化学)。スクリーニングした遺伝子発現の結果を、5もしくはそれ以上の場合の、パラフィン切片中の、タンパク質の分布の直接調査によって、検証した。間接免疫組織化学を行なった。抗体を以下のように得て利用した。デスミンおよび前立腺特異的膜抗原 (PSMA) (DAKO, Carpinteria, CA)、ケラチン15およびチューブリンβ4 (NeoMarkers, Lab Vision Corporation, Fremont, CA)、プロスタグランジン-D2シンターゼ (Cayman Chemical, Ann Arbor, MI)、および前立腺特異的抗原 (PSA) (BioDesign International, Saco, Maine) に指向。

【0235】

(レーザー・キャプチャー・顕微解剖 (LCM))。新鮮に調製した凍結切片の顕微解剖を、Arcturus (Mountain View, CA) Mark PixCell II LCM器具を用いて、前立腺癌上皮、間質、および肥大性良性上皮前立腺細胞

を単離するために実施した。総RNAを、これらのサンプルから調製し、定量的RT-PCR (qPCR) にて、遺伝子リスト、プライマー、Affymetrix (改変t統計値) の、LCMへのグラフ的相関 (LCM/qPCRエンドポイント) と一緒に、詳細に記載したように、細胞特異的発現解析を検証するために使用した。各新鮮に凍結した組織から、5 μ m厚凍結切片を調製した。切片を続いて、等級エタノール溶液 (70%一回、5秒間リンス、95%2回、各5秒間リンス、100%2回、各5秒間リンス) 中で脱出し、キシレン (2回、各5分間) 中で除去した。10分間の風乾の後、Arcturus Engineering (Mountain View, CA) からのPixCell I I LCM Systemを、製造業者のプロトコールに従って、レーザー捕獲のために利用した。総RNAを、樹脂スピンカラムシステム (PicoPure RNA単離キット、Arcturus Engineering) を用いて抽出した。

【0236】

臨床的に初期段階の局在化前立腺癌に関して、前立腺摘除術を行った41名の被験体からの88の組織サンプルを、独立して、4つの細胞型の組成割合について、4名の病理学者のパネルによってスコア化した。4名の病理学者によって推定された、細胞型の割合の連続測定における一致解析を、観測者間ピアソン相関係数として評価した。腫瘍、間質、BPHおよび膨張腺細胞に対する平均係数は、それぞれ、0.92、0.77、0.73、および0.49であり、これは、優勢な細胞型に関する、スコアリングの再現性を示唆している。膨張腺カテゴリーに関する、より低い再現性は、サンプル中のこの細胞型の相対的な不足によった (平均割合=5%)。サンプルが、広い範囲の相対腫瘍細胞数を含み、腫瘍細胞の場合、0.3%腫瘍細胞の低いものから、100%腫瘍細胞の高いものまでの範囲であることがわかった (図2)。

【0237】

非常に低い腫瘍含量のサンプルを含めたにもかかわらず、1,197の遺伝子が、経験的ベイズ推定に従って、腫瘍および非腫瘍サンプル間で異なって発現したとして同定された (事後確率>0.95、サポート情報を参照のこと)。腫瘍サンプルは、平均、上皮由来の細胞 (腫瘍、BPH、膨張腺) の53.4%を含んだため、非腫瘍サンプルは、24.7% (P=3.5 $\times$ 10⁻¹¹)の平均上皮組成を持ち、間質含量を反映した遺伝子発現の差が疑われた。クラスに従って異なって発現した転写物の例示サブセットを、最も近い萎縮セントロイド (Nearest Shrunken Centroid) 判別解析を介して同定した。37の高く判別された遺伝子のうち、23が、非腫瘍であると予測され、ほとんど、ミオシン、トロポミオシン、アクチンなどのような、典型的な平滑筋転写物であった。したがって、必然的帰結の概念として、標準の顕微鏡研究を介して同定された腫瘍マーカーは、腫瘍細胞生物学に関して、ほとんど有意ではなく、より、上皮対間葉系の細胞間の基本的な差の反映である、ということである。

【0238】

遺伝子発現を、腫瘍標本中の特定の細胞型に割り当てるために、直線モデルを構築し、ここで、任意の1つの細胞型の遺伝子発現が、該細胞型の割合、およびその対応する特徴的細胞型発現レベル、 β_{ij} にのみ依存するが、存在する他の細胞型の割合には依存しないことが推定された。式1にて、サンプルk中の遺伝子jの平均発現レベル G_{jk} は、細胞型割合 x_{kj} によって比重をかけた、細胞型予想の平均、 β_{ij} である。

【0239】

【数30】

$$G_{jk} = \sum_i x_{ki} \beta_{ij} + \varepsilon_{jk} \quad (\text{式1})$$

その割合が、モデル (式1) 中、1および0 (すべての腫瘍) または0または1 (非腫瘍) のいずれかであるような、2つの細胞型を用いて、腫瘍対非腫瘍発現レベル量を比較し、係数の差をとる。他の手順は、2つの細胞型モデルにおける、病理学者による評価の

割合を利用する。係数、標準誤差、および切片を、腫瘍の、そして間質の、そしてBPHの含量割合の関数として、88のマイクロアレイ中の、各遺伝子発現ベクターに関して、2細胞型モデル（たとえば、腫瘍細胞の割合における、発現レベルの単回帰を介して、腫瘍対非腫瘍）に従って計算した。したがって、予想された細胞型発現レベルが、直線モデル（式1）にて、回帰係数、 β として与えられる。適合度および効果サイズを組み込んだ改変t統計値を、Tusher (Proc. Natl. Acad. Sci. USA 98, 5116-5121, 2001)に従って計算し、ここで、 σ_β は、係数の標準誤差であり、 k は小定数である。

【0240】

【数31】

$$t = \beta / (k + \sigma_\beta) \quad (\text{式2})$$

n88に関して、2.4の改変t統計値が、各々の細胞型間の発現における、>4倍の推定される差に相当する閾値を設定する（ $P < 0.02$ ）。これらの基準によって、多くの転写物が、特定の細胞型との強力な関連を有することがわかった（図3）。予想された細胞特異的遺伝子発現の全体的な概論を、直線モデルからの改変t統計値の階層的クラスター化によって得た。合計3,384の転写物が、基準に従って、細胞型関連遺伝子発現パターンを示した。この手順により、腫瘍関連転写物および非腫瘍関連転写物が、細胞型特異性の観点において、説明されることが明らかになった。したがって、1,096の遺伝子が、強力な腫瘍関連を持ち、これらの大部分（683）が、主として、腫瘍-間質遺伝子発現における差示を表す（腫瘍>間質）。逆に、大複数の転写物が、間質関連であると予想される（間質および間質>腫瘍）。興味深いことに、多数の遺伝子が、巨力にBPH細胞含量に関連している（492）。これらのサブセット（196）がまた、腫瘍細胞含量に、強力な負の関連をしめし、これは、BPHの可能性ある、臨床的に有用なマーカーを示している。さらに、この解析は、413の遺伝子が、腫瘍特異的であると予想し、腫瘍に強力に関連しており、BPHおよび間質に、負の関連を示している。

【0241】

転写物群を、遺伝子の機能に関する異なる個性によって特徴付けした。BPH細胞関連群（ $B > S$ 、 $B > T$ ）には、15-リボキシゲナーゼ-11、CD38およびp63を含む、先に同定された非悪性前立腺上皮マーカーが多数含まれる。この群には、シスタチン-A、クロモグラニン-A、コレシストキニン、およびコレシストキニン レセプターのような、多数の神経内分泌マーカーが含まれた。明らかに、遺伝子のBPH群は、IL-1コンバーターゼを含んだ。IL-1は、前立腺における、推定神経内分泌モルフォゲンである。間質細胞コンパートメントが、典型的平滑筋および結合組織関連遺伝子、ビメンチン、ミオシン、アクチンおよびジストロフィンによって占められた。含まれた他の強力な間質関連物は、形質変換成長因子（TGF）- β および繊維芽細胞成長因子シグナル伝達経路に關与する。

【0242】

また他の細胞型に反相関した、強力な腫瘍に対する関連性を有する転写物には、上述の通り、ヘプシン、マカマルク、LIMタンパク質、および α -メチルCoAラセマーゼが含まれる。本研究にて、7.2の、三番目に高い細胞型関連改変t統計値をもつ、UDP-N-アセチルグルコサミン ピロホスホリラーゼ-1を含む、O-およびN-結合糖付加に關与する多数の酵素が、強力に腫瘍特異的であった。小GTPタンパク質シグナル伝達経路に關与する種々の遺伝子もまた見られた。腫瘍およびBPH細胞含量両方に關連した転写物のセットには、驚くことなく、PSAが含まれた。事実、本遺伝子に対して、6つの別のGeneChipプロブセットが、本群に分類された、Affymetrixアレイ上に存在した。

【0243】

BPHと腫瘍細胞発現間の特定の差違が、診断的に興味深く、病因を明らかにしうる。
 (切片を用いず、組織割合における発現レベルの多重回帰を介した) 4細胞型モデルによって、2つの細胞型間の発現における差の、直接の、そしてバイアスをかけない推定が可能である。間質含量の効果を保有している同時回帰が、前立腺において、遺伝子発現における細胞型関連差違が、腫瘍細胞および間質細胞の含量割合間の、逆相関によって左右されたという事実を考慮に入れる。多重サンプルを、何名かの被験体から利用するため、Rに関してギー ライブラリーにて実施された推定されている式アプローチを利用した。本手順によって、BPHまたは腫瘍細胞いずれかに特異的であると推定された、多数の転写物が同定された (図3B)。サイトケラチン-15 (CK15) 発現が、高い信頼性にて、BPH細胞型に関連することが推定された。他の推定BPH上皮細胞マーカーには、中間フィラメントタンパク質NF-H、ヒストンH2A1B、CD38および15-リポキシゲナーゼが含まれた。BPH細胞と反対に、腫瘍にて特異的に発現すると推定された転写物には、 β -チューブリン、UDP-N-アセチル グルコサミン ピロホスホリラーゼ1、およびSGP-28などが含まれた。

【0244】

4細胞型多重回帰モデルに関する式1にて、腫瘍細胞割合、および間質細胞割合両方に依存する項を含み (すなわち、クロス乗積、 $X_{kT} X_{ks}$)、依存しないか、むしろ腫瘍 (または間質) の割合に依存する、間質 (または腫瘍) 細胞における遺伝発現を計算した (図3C)。多くの遺伝子が、直線モデルにて、間質にて存在すると予想される、TGF- β 2を含む、高腫瘍間質クロス乗積項を有する、発現プロファイルを示した。また、高いクロス乗積を有する、間質関連遺伝子が、デスミンであった。免疫組織化学染色 (以下を参照のこと) が、この発見を支持している。高クロス乗積腫瘍関連遺伝子がまた、T細胞レセプター γ (TCR γ) 転写物 (Affymetrixプローブセット 41468__at) を同定し、含んだ。この実施例において、高クロス乗積は、高く判別される腫瘍マーカーである、TCR γ 転写物の結果である。すなわち、相対的に低いパーセンテージでも、腫瘍サンプルは、高い発現を示し、腫瘍TCR発現の間質調節と一致する直線モデルに対して例外である。

【0245】

(免疫組織化学的検証)。スクリーニングした予想細胞型特異的遺伝子発現パターンを、免疫組織化学を用いることによって、タンパク質レベルにおける遺伝子発現の分散を調査することによって試験した。少なくとも5例の、BPH、間質および膨張腺様構造が隣接する、腫瘍を有する組織の場合を、各抗体で試験した、 β -チューブリンが、強力な腫瘍関連遺伝子であることが予想される。免疫組織化学染色によって、腫瘍の込み入った腺様構造の腫瘍細胞中での、均一な発現が明らかになったが、隣接BPHおよび膨張腺の間質または上皮細胞では陰性であった。プロスタグランジン-D2シンターゼ (PD2S) が、穏やかな、腫瘍関連遺伝子であることが予想される。腫瘍腺構造の上皮細胞の先端表面が、非常に免疫応答性であり、一方で、BPH腺は、ほとんどまたは全く免疫活性を示さなかった。前立腺特異的膜抗原 (PSMA) が、強力な腫瘍関連であると予想される。染色によって、腫瘍腺細胞の先端膜に、厳密に拘束された強力な免疫反応性が明らかになったが、隣接BPH細胞では、ほんの弱い反応性しか観察されなかった。デスミンが、腫瘍間質細胞相互作用の高い可能性を有する、間質遺伝子であると予想される。多数のデスミン-陽性スピンドル型細胞形成ファイルおよびパラレルクラスターが、間質組織コンパートメントをみたし、一方で、すべての上皮細胞が陰性である。腫瘍の領域内の間質は、デスミン-陽性スピンドル細胞集団がわずかである、隣接正常間質とは異なり、このことは、腫瘍関連間質中の細胞の異なるリモデリングを示唆している。CK15が、BPHに強力に関連すると予想される。過形成上皮の筋上皮のほとんどの細胞の、均一標識化が明らかであり、一方で、同一例の隣接腫瘍細胞では、発現は検出されなかった。PSAは、BPHおよび腫瘍細胞において存在すると推定される。強力な免疫反応性が、腫瘍およびBPH腺両方で見られた。これらの観察によって、本明細書で記載された転写物発現の詳細な分析に基づいて推定されたように、タンパク質の細胞型特異的発現の直接の確認が提

供される。

【0246】

(LCM-qPCR検証)。5つの独立した標本、および発現解析のために使用した1つの標本を、LCMによる、腫瘍、BPH、および間質細胞の単離のために使用した。免疫組織化学によって検証された種々の遺伝子を含む、PSA、 β -チューブリン、デスミンおよびサイトケラチン-15のような、28の遺伝子に関するプライマーセットを、qPCRによって試験し、全部で504回のPCRを走らせる。qPCR結果の全パターンが、細胞型に基づく発現レベルとの、明確な相関を示した。相互関連を定量的に試験するために、ピアソン相関係数、および各細胞に関する関連可能性を、LCMサンプルからのqPCRエンドポイントと、同一の細胞型に関する、完全なデータを有する20の遺伝子にわたる、in silico詳細な分析から由来する、対応する改変t統計値間で計算した。本解析によって、腫瘍、BPHおよび間質細胞型に関して、それぞれ、0.689 ($P=0.004$)、0.609 ($P=0.0042$) および 0.524 ($P=0.0144$) の相関係数が産生された。したがって、全ての相関係数は、統計学的に有意である。したがって、全ての3つの細胞型に関して、試験した遺伝子に対する、細胞型特異的解析の、これらの2つの独立した、多重工程方法間に有意な相関が存在することが明らかである。

【0247】

解析は、前立腺癌の、腫瘍細胞、BPH細胞、および間質細胞の、真のマーカーを区別するために実施した。個々の細胞型の割合を用いる、従来の最小二乗回帰は、大多数の遺伝子に関して、細胞特異的発現の明確な予測を産生する。多くの予測が、前立腺遺伝子発現の先の知識、および生物学の基礎に基づいて、簡単に許容され、本方法にて、確実性を提供する。これらは、結合組織の特徴である間質細胞によって、選択的に発現され、上皮細胞ではほとんど発現しないか、または全くないと予想される、多数の遺伝子によって、ひときわ例示されている。

【0248】

本解析によって、分子腫瘍および非腫瘍マーカーの、より別の、情報を与える群への分離が可能である。したがって、腫瘍関連であるとして同定された遺伝子をさらに、腫瘍対間質(上皮対間葉)および腫瘍対BPH(おそらく、悪性細胞と、その過形成カウンターパート間の真の差を反映している)へさらに分類しうる。最近のメタ解析によって、前立腺癌でアップレギュレートされた500の遺伝子のリストが産生された。これらのうち338(固有のUnigene同定子)が、本明細書で提供された解析において、腫瘍の存在にしっかりと相関すると同定された。本明細書で表された方法によって、157のこれらの腫瘍関連転写物が、腫瘍間質二分を表すことが示唆されている。他の26が、BPH細胞および腫瘍細胞に関連し、89が、腫瘍細胞に、比較的固有である。特に、本明細書で開示された方法によって、間質に関連した、二つの転写物のみが、メタ解析にて、腫瘍関連であると分類された。反対に、メタ解析にて、正常の前立腺の指標として同定された500の遺伝子のうち、296が271の間質遺伝子、およびわずか15の、BPH細胞に関連し、悪性細胞に関連しない遺伝子にわけることが出来る。したがって、最近のマイクロアレイに基づく研究における、大複数の、正常の前立腺組織に関連したマーカーが、間質の細胞に関連する。この結果は、少なくとも本明細書で、正常のサンプルが、比較的大きな割合の間質細胞からなることを考えると、驚くに値しない。

【0249】

本研究における、BPH細胞と腫瘍細胞間のもっとも強力な単一の識別子は、サイトケラチン-15(CK15)であり、免疫組織化学によって確認された結果である。CK15は、今まで、この文脈上ではほとんど関心を得ていないが、BPHマーカーは、曖昧な臨床の場合の診断において、重要な役割をはたす。CK15および他の予想されるBPHマーカーの臨床利用には、さらなる研究を必要としうる。

【0250】

全ての遺伝子が、細胞型の一次関数として表されないことが予想された。共分散マトリ

ックス中の、高いクロス乗積をもつ転写物が、1つの細胞型における発現が、パラクライン機構中で推定されうるような、他の組織の割合に独立ではないことが示唆される。腫瘍パーセンテージへの最も高い依存性を有する、間質転写物は、前立腺細胞増殖にて重要であると先に同定されているサイトカインである、TGF- β 2である。免疫組織化学が、実際的である、他のそのような間質細胞遺伝子は、腫瘍関連間質にて、相当変化した染色を示した、デスミンであった。事実、大多数の典型的な間質細胞遺伝子が、腫瘍関連間質が、本質的に、非関連間質とは異なるという推測に対して証拠を加える、腫瘍の割合への依存を示した。腫瘍間質パラクラインシグナル伝達が、腫瘍細胞のみよりも、検出に関して、非常に大きな標的が存在しうる、変化した遺伝子発現の、腫瘍周辺ハロにて反映されうる。

【0251】

最近、遺伝子の一群が、グリーソンスコアおよび臨床結果と相関すると同定された。これらの研究は、非常に高い腫瘍細胞割合をもつ標本に制限された。したがって、本明細書で提供された研究とは対照的に、先の研究は、腫瘍の遺伝子発現サイン、およびおそらくその生物学に参加しうる、癌の近隣の細胞の役割を評価不可能であった。

【0252】

本実験は、その発現が、腫瘍細胞、BPH細胞または間質細胞いずれかと、特異的に相関する遺伝子を同定するために、単独および多重直線回帰を用いる、直線的なバイオインフォマティクスアプローチを利用した。これらの結果によって、種々の先行発見が確認され、重要なことに、大多数の遺伝子候補を、前立腺癌病因に関与する、種々の細胞の特定の産物として同定する。単一の細胞型に簡単に起因しない、文脈依存発現がまた認識される。本明細書で記載された調査アプローチは、他の器官内での、広い範囲での腫瘍マーカー発見調査に適用可能である。

【0253】

レーザー・キャプチャー・顕微解剖および抽出 各急速冷凍組織から、5 μ 厚の冷凍切片を調製した。切片を続いて、等級エタノール溶液（70%一回、5秒間リンス、95%2回、各5秒間リンス、100%2回、各5秒間リンス）中で脱水し、キシレン（2回、各5分間）中で除去した。10分間の風乾の後、Acturus Engineering (Mountain View, CA) からの PixCell IILCM System を、製造業者のプロトコルに従って、レーザー捕獲のために利用した。総RNAを、樹脂 スピナーカラムシステム (PicoPure RNA 単離キット、Arcturus Engineering) を用いて抽出した。

【0254】

リアルタイム定量による、遺伝子配列の解析 (qPCR) 第一鎖cDNA合成を、0.5 μ g オリゴdT (15)、50mM Tris-HCl (室温にてpH8.3)、75mM KCl、3mM MgCl₂、10mM ジチオスレイトール、0.5mM dNTPs、2ユニット/uLのRNase Inhibitor (Roche) および10ユニット/uL SuperScript II RNase H⁻ Reverse Transcriptase (Invitrogen Corporation) 中で、(先に、オリゴdT (15) およびdNTPとともに、65°C、5分間先に暖めた) 各サンプルからの全ての抽出総RNAを用いて実施した。逆転写酵素を、42°Cでの2分間のインキュベーションの後加え、ついで、42°Cにて50分間インキュベートした。反応を、70°Cにて15分間不活性化した。20 μ L cDNA反応液を、400 μ Lまで希釈し、各遺伝子の解析のために、6 μ Lを使用した。リアルタイム定量PCR (ABI Prism 7900 Sequence Detection System、Applied Biosystems、Foster City、CA) を、Sybr Greenの利用によって、遺伝子発現の解析のために実施した。リアルタイムPCR反応は、1 $\times$ HotStart Taq PCR Buffer (1.5mM MgCl₂入り)、SybrGreen I (Molecular Probes) の1:25, 000希釈液、0.35 μ M 6-ROX (Molecular Probes)、0.2m

M dNTP、4 mM MgCl₂、0.025 ユニット/μL Hot Start Taq DNAポリメラーゼ (Qiagen) および 0.8 μM の各プライマーを含んだ。リアルタイムPCRを、95℃にて15分間；および、95℃にて15秒間、60℃にて15秒間および72℃にて30秒間の50サイクル；続く、解離工程（95℃ 15秒間、60℃ 15秒間、95℃ 15秒間、60℃から95℃までの2%ランピング速度）にて実施した。ストックしたcDNAが減少する希釈を表す相対標準曲線を、各遺伝子の標的増幅の効率をモニターするために使用した。31 遺伝子を増幅した。アッセイした特異的RNA転写物のそれぞれに関するプライマー対配列を、表1にて列記している。

【0255】

（変位値正規化）。各LCMサンプルの強度値を、変位値正規化し、各LCMサンプルに対する、 $K = 24$ 遺伝子でのkthランク付け強度を、全てのサンプルにわたる、kthランク付け値の平均で置換した。2、3のLCMサンプルに関して、読み取りが、いくつかの遺伝子に関して得られなかった。これらのサンプルは、平均化に含まなかったが、非不明遺伝子に対する正規化値を、 $(j-1) * (k-1) / (J-1) + 1$ にて、サンプルに対するJ有効値のうち、ランク、jで置換し、これを利用することによって、K平均の間で内挿するために得た。

【0256】

（表8）。選択した細胞型特異的発現遺伝子。本表は、 $t > 2.4$ にて各遺伝子に関して、差違（T-B）を定義し、スクリーニングした、各細胞型（腫瘍（T）、BPH（B）および間質（S））に対して、本明細書で記載した（式2）ように計算した、改変t-統計値を提供している。改変t-統計値 t_{ij} は、各遺伝子jと、各組織型iに関して、適合値および効果サイズを組み込み、ここで、 σ_{β} は係数の標準誤差、 β_{ij} であり、 k は小定数であり、 $t_{ij} = \beta_{ij} / (\frac{k}{k+1} + \sigma_{\beta})$ 。 β_{ij} は、記載したように、式（1）に従って決定する。 $N = 88$ に関して、2.4の改変t-統計値が、各々の細胞型間の発現における、四倍以上の推測される差違に相当する閾値を設定する（ $p < 0.02$ ）。3384の転写物が、前記閾値に従って、細胞型関連遺伝子発現パターンを提示し、本明細書で列記されている。1096の遺伝子が、強力な腫瘍関連を持ち、これらのほとんど（683）が、腫瘍間質遺伝子発現における、主な差違を表している（腫瘍>間質）。反対に、大多数の転写物が、間質関連であると推測される（群、間質および間質>腫瘍）。492が、BPH細胞含量に強力に関連する。これらのサブセット（196）がまた、腫瘍細胞含量に、強力な負の関連を示し、これは、BPHの可能性のある臨床的に有用なマーカーを示唆している。413が、腫瘍特異的であると推測され、腫瘍に強力に関連しており、BPHおよび間質（腫瘍）両方に、負の関連を提示している。カラムB、CおよびD標識BSTAT、SSTATおよびTSTATはそれぞれ、各組織型のみのパーセント組成（cf. 式1）、それぞれすなわちBPH上皮細胞含量、間質細胞含量、または腫瘍上皮細胞含量を用いる、単独回帰のための、相当する改変t-統計値である。改変t-統計値は、改変t-統計値 > 2.0 に対して、カラーコードRedであり、 $2.0 > \text{改変t-統計値} > 1.0$ に対してTan、改変t-統計値 < -2.0 に対してGreen、および $-2.0 < \text{改変t-統計値} < -1.0$ に対してBlueである。

【0257】

2細胞型直線モデルから計算された改変t統計値は、方向および程度、ならびに係数の適合度を具体化する。改変t統計値を、純粋な、0%特異的細胞型サンプル組成と、 > 0.25 の絶対相関係数間での、 > 4 倍予想変化を有する遺伝子を含めるためにフィルターを通した。これらの基準によって、3,387の転写物が、細胞型関連遺伝子発現を提示し、改変t統計値を、階層的的クラスタリングによって、本明細書で視覚化する。Redは、正の相関に相当し、緑は、細胞型（B、BPH；S、間質；T、腫瘍）と遺伝子発現間の負の相関に相当する。各群からの代表的な遺伝子は右側である。先に入手可能な腫瘍／非腫瘍の区別は、中間ラベルで表されている。本解析によって、間質（大部分）およびBPH関連遺伝子への非腫瘍マーカーのさらなる分類が提供される。同様に、腫瘍マーカーもまた、さらに分類され得る。腫瘍間質差示のマーカーが、遺伝子発現における上皮間

葉差示を反映しうる。腫瘍－BPH区別に従って異なる遺伝子が、前立腺上皮の悪性および非悪性状態間の変化を反映しうる。

【0258】

(実施例2)

(細胞型間、および再発ならびに非再発患者間の、発現における差の同定)

前向き観察トライアルデザインにおける、利用可能な臨床例において評価される、細胞特異的および再発特異的な異なる遺伝子発現を見分ける見込みのある方法が開発された。

【0259】

(1. サンプル評価)。パーセントサンプル組成決定。マイクロアレイ解析にて使用したすべてのサンプルを、4名の病理学者が評価し、彼らは、実施例1で記載したような連続凍結切片を用いて、各々のサンプル中の、腫瘍、間質細胞、BPH細胞および嚢胞性萎縮細胞の割合を独立して推定した。これらの解析切片間の組織を、RNA調節および発現解析のために利用した。この方法による組織組成推定の確かさが、組織型(カップ)の存在または不在の一致の計算、およびパーセント割り当てに対するピアソン相関係数計算のような、4名の病理学者の間での種々の一致解析を実施することによって、確認された。腫瘍細胞含量を推定する場合の、そのような解析の実施例が、図1で、また推定された4つの細胞型の概略が表3で示されている。4名の関与した病理学者で、各サンプルに対して平均化したパーセント推定を、以下で記載し、実施例1で要約したような、細胞特異的遺伝子発現推定を導くために使用し、平均化値を解析にて使用した。

【0260】

(2. 遺伝子発現データ処理)

総RNAを、公知の細胞組成のサンプルから調製し、製造業者によって記載されたように、Affymetrix GeneChipプラットフォーム上で解析した。ハイブリッド形成したマイクロアレイのデータを、Affymetrix Microarray Suite 5.0 (Affymetrix (2000). Microarray Suite 5.0—User Guide. Affymetrix, Inc. (www.affymetrix.com))によって処理した。バックグラウンド推定および遺伝子発現評価を、BioConductorのAffymetrixパッケージ(Rafael A. Irizarry, Laurent Gautier, Benjamin Milo Bolstad, Crispin Miller, Magnus Astr, Leslie M. Cope, Robert Gentleman Jeff Gentry Wolfgang Huber James MacDonald Benjamin I. P. Rubinstein Christopher Workman and John Zhang (2004). Affymetrix: Methods for Affymetrix Oligonucleotide Arrays. R パッケージ バージョン1.5.8)を用いて実施した。

【0261】

(3. 2つのGeneChipデータセット) 55名の患者からのサンプルを、118 U95Av2 GeneChipsにハイブリッド形成させ、91名の患者からのサンプルを、146 U133A GeneChipsにハイブリッド形成させた。34名の患者からのサンプルを、両方のチップ型にハイブリッド形成させた。54のサンプルを、両方のチップ型にハイブリッド形成させた。これらのデータセットおよび、再発および非再発サンプルの間の分布を、表4&5にて要約している。

【0262】

(4. 4つの細胞型に関する回帰解析による、細胞特異的遺伝子発現の決定)。前立腺の一般的組織学に従って、本発明者らは、(1)腫瘍を有する前立腺組織の大部分の細胞型を、4つの細胞型：腫瘍上皮細胞、BPH上皮細胞、間質細胞(平滑筋および結合組織細胞、ならびに、膨張嚢腺の平板化した上皮裏打ちの組み合わせ)。本発明者らはまた、(2)抽出した前立腺組織中の、該所定の遺伝子のmRNAの量が、該場合において観察された細胞型の量に比例して、これらの4つの細胞型より由来する、ことを仮定する。す

なわち、本発明者らは、直線モデルが、Affymetrix GeneChip Intensity:

【0263】

【数32】

$$y_{ij} = \beta_{BPH,j} x_{BPH,j} + \beta_{T,j} x_{T,j} + \beta_{S,j} x_{S,j} + \beta_{G,j} x_{G,j} + \varepsilon_{ij}, \quad (3)$$

を考慮することを前提とし、式中 y_{ij} は、サンプル i 中の遺伝子 j の観察された遺伝子発現強度であり、 $x_{x,i}$ は、サンプル i 中の細胞型 X の割合であり、 $\beta_{x,j}$ は、遺伝子 j および細胞型 X に対する回帰係数であり、モデルを適合して得られた、遺伝子 j の総遺伝子発現強度に対する、細胞型 X の割合の寄与を定義している。

【0264】

β 係数は、ユニット細胞あたりの遺伝子発現における変化（すなわち、遺伝子強度対パーセント組成のプロットの傾き）であり、したがって、細胞特異的遺伝子強度係数である。式3のモデルに関して、異なるグリーンスコア、または、攻撃性増殖のような種々の表現型を持ちうる、異なるサンプルからの腫瘍細胞の遺伝子発現特性では、区別がされない（実施例1）。これらの β 係数は、したがって、所与の細胞型の、平均特徴的遺伝子発現特性である。攻撃性疾患 対 不活性疾患が、以下の項目6で、以下で処理される。

【0265】

モデル、式3の係数は、回帰解析によって得ることができる（Draper N and Smith H. Applied Regression Analysis. John Wiley and Sons, New York 1981）。何名かの患者に対する多重サンプル、および1名の患者に対するサンプルが、一般的に、他の患者より異なる相関構造を有するため、本発明者らは、Rにおけるパッケージギーの方法によって、モデルを、Generalized Estimation Equation (GEE) に適合した（Diggle, P. J., P. Heagerty, et al. (2002). Analysis of Longitudinal Data. Oxford University Press 2nd edition, Oxford, England）。本手順は、反復工程によって、残差を最小化する。

【0266】

有意な $\beta_{x,j}$ 値、すなわち、所与の細胞型の量との、遺伝子発現の有意な相関を決定するために、本発明者らは、帰無仮説を試験し、ここで、相関係数 $\beta_{x,j} = 0$ 。 $\beta_{x,j}$ が、いくつかの遺伝子のみ、有意な遺伝子、に対して有意でありうる。Tusher後の同調改変 t -統計値（Tusher, V. G., R. Tibshirani, et al. (2001). Significance analysis of microarrays applied to the ionizing radiation response. Proc Natl Acad Sci USA 98 (9): 5116-21)を計算した。これにより、遺伝子 j の、細胞型 X の割合との相関が評価され、

【0267】

【数33】

$$t_{j,x} = \frac{\beta_{x,j}}{(\sigma_j + k)}, \quad (4)$$

式中 σ_j は、係数 $\beta_{x,j}$ の標準誤差であり、 k は、弱く発現した遺伝子にペナルティーを課す小定数である（Tusher and Tibshirani 2001）。

【0268】

細胞特異的発現リストが、本明細書で提供された。N=88 GeneChips に対

して、2.4の改変t-統計値が、各々の細胞型 ($p < 0.02$) 間の発現における4倍以上の推定差違に相当する閾値を設定する。3384転写物が、前記閾値にしたがった、細胞型関連遺伝子発現パターンを提示し、本明細書で列記している。1096の遺伝子が、強い腫瘍関連を持ち、これらのうちの大部分(683)が、主として、腫瘍間質遺伝子発現における差違を表している(腫瘍>間質)。反対に、大多数の転写物が、間質関連であると予想される(群間質および間質>腫瘍)。492が、BPH細胞含量に強力に関連している。これらのサブセット(196)がまた、腫瘍細胞含量に、強力な負の関連を示し、これは、BPHの可能性ある、臨床的に有用なマーカーを示している。413が、腫瘍特異的であると予想され、腫瘍に対して、強力に関連し、BPHおよび間質両方に対しては、負の関連を提示している。

【0269】

(5.細胞特異的遺伝子発現の独立複製)。実施例1での、U95Av2上の53サンプルの解析によって、細胞組成の知識から、細胞特異的遺伝子発現が、推定されうる。公知の細胞組成のサンプルの、多重回帰解析の細胞特異的な結果が、再現可能であり、一般的であったかどうかを決定するために、試験を実施した。多重直線回帰の結果を、定量的に、U95Av2 GeneChipsによって解析したサンプルに対して、独立したプローブセットでのU133A GeneChips上で解析した独立のサンプルと比較した。第一に、各プラットフォームの共通のサンプル遺伝子間のマッピングを作製した。

【0270】

(U95Av2およびU133A間のマッピング：実施例1の複製)。U95Av2からのプローブセットの、U133Aのプローブセットに対するマッピングは、Affymetrix Best Mapping (Affymetrix、Palo Alto, CA)に基づいた。U95Av2 GeneChipの10,507のプローブセットを、U133A GeneChip上の9530プローブセットにマップした。U133A GeneChip上で、およそ22,000プローブセットが存在する。したがって、マップされたプローブのセットは、ほとんどのU95Av2プローブセットと、40%以上のU133Aプローブセットを表している。9530プローブセットは、およそ6235のヒト遺伝子に相当する。

【0271】

(U95およびU133に関する4細胞型回帰解析結果の比較)。4細胞型に対する回帰解析を、U95Av2とU133aデータセット両方に関して、マップしたプローブセットの強度を用いて実施した。両方のGeneChipの4つの細胞型に対する、各々の改変t-統計値を決定した。比較を、U95Av2上で測定した110サンプル、およびU133Aによって測定した93の異なるサンプルに関して行った。結果を、各細胞型に関して、これらのプローブセットに対する、改変t-統計値を相関することによって、評価しうる(表5)。

【0272】

改変t-統計値>2.4、すなわち、全てのサンプルにわたり、均一に、細胞特異的に発現した遺伝子に関し、所与の遺伝子について、比較によって産生された改変t-統計値間の正のピアソン相関係数は、4つの細胞型に関して、0.72~0.94の範囲であり、このことは、両方の解析において細胞特異的であると同一の遺伝子について決定に対するにおいて、優れた一致を示している。実際、マップ化したプローブセットによって表される全ての遺伝子が考慮される場合、有意に正の相関がまた観察された(表5)。結果が、独立サンプルおよび独立遺伝子発現解析物を表しているため、これらの結果は、細胞特異的遺伝子発現決定の方法が、再現可能であり、しっかりとしていることを意味する。U133Aにて組織特異的である遺伝子を、表8にて示している。

【0273】

(6.4細胞型およびカテゴリー変数「再発例」、rsに関する回帰解析：早期再発前立腺癌における、差示的に発現した遺伝子の同定)

本研究の過程の間、多数の患者が、試験閾値より大きな、手術後PSA値を示した。暫

定計算の目的のために、すべてのそのような患者を、化学的再発を示すとした。言い換えると、再発を、攻撃性前立腺癌の代用マーカーとして用いた。「再発サンプルである」分子形跡を得るために、拡張直線モデルを構築して、カテゴリー変数 r_s と相関する細胞特異的有意な遺伝子を決定し（「再発例である」）、

【0274】

【数34】

$$y_{ij} = \beta'_{BPH,j} x_{BPH,i} + \beta'_{T,j} x_{T,i} + \beta'_{S,j} x_{S,i} + \beta'_{G,j} x_{G,i} + rs(\gamma_{BPH,j} x_{BPH,i} + \gamma_{T,j} x_{T,i} + \gamma_{S,j} x_{S,i} + \gamma_{G,j} x_{G,i}) + \varepsilon_{ij}, \quad (5)$$

式中 $\beta'_{x,j}$ 値は、遺伝子 j および細胞型 X にする、非再発細胞型発現の寄与を定義し、 $\gamma_{x,j}$ は、回帰係数であり、再発した細胞型 X の、遺伝子 j の総遺伝子発現強度に対する寄与を定義している。本モデル中、型 $r_s * X_{x,j}$ の双方向相互作用が存在する。

【0275】

さらに、False Discovery Rate (FDR) を、順列スキーム (Good, Phillip: Permutation Tests, A Practical Guide to Resampling Methods for Testing Hypotheses, 1993, Springer Verlag, New York) の方法によって推定した。FDR は、いくつかのルールによって発見された、有意な遺伝子のセット中の、疑似陽性の割合である。帰無仮説は、 $\beta_{x,j} = 0$ - 「再発例である」は、総遺伝子発現において影響を持たないことであった。順列スキームは、帰無モデルを支持し、本明細書で提供されたように、その相関構造を実行した。この工程を 20 回繰り返した。各細胞型に関して 20 の繰り返しを考慮した、改変 t -統計値の分布が、実際のデータと比較した、改変 t -統計値の帰無分散を与えた。得られた FDR 値は、表 6 にて丸括弧内に存在する。Affymetrix U133A GeneChip 上の ~ 22,000 プローブセットのうち ~ 1100 プローブセットが、非再発および早期再発前立腺癌間で、有意に差示的に発現している。これらの内、およそ 13% が、疑似陽性である。表 9 は、より高い再発のリスクを有する患者において変化する、もっとも有意に異なる遺伝子が発見された腫瘍のリストを含む。表 10 は、再発対非再発患者における、間質において異なる遺伝子を含む。

【0276】

いくつかの特定の観察に注意する。第一に、BPH 上皮による、細胞特異的発現が、容易に明らかであり（実施例 1）、BPH 中での有意な遺伝子発現変化が、再発状態と比較した時に、解消しなかった。このことは、BPH が、進行における前駆病変または因子ではないという、一般的な観察に一致する (Chung, L., Isaacs, W., and Simons, J. Prostate Cancer, Biology, Genetics, and the New Therapeutics. 2001, Human Press, New York)。第二に、ほとんどの変化が、負の γ と関連し、これは、進行にともなって、遺伝子発現が減少することを示しており、進行を伴う脱分化と関連する (Chung et al. 2001)。第三に、多くのほとんどの有意な遺伝子発現変化が、間質細胞に関連する。大多数の、間質での異なる変化は、間質が、パラクライン相互作用を介して、前立腺癌進行のなくてはならない部分であることの増大する兆候と関連しうる。

【0277】

間質および早期再発に特異的な遺伝子の同定により、陰性臨床前立腺生検において、間質のみの解析によって、癌の存在の予測、ならびに、不活性疾患または攻撃性疾患が存在するかどうかの予測であり得ることが推測される。この仮定は、検証研究によって実験的に、そして、たとえば、独立したデータセットへの分類子の適用によって、解析的に、の両方で簡単に試験可能である。間質分類子を、項目 7 にて開発する。

【0278】

特別な細胞型X（たとえば間質細胞）に対する、改変t-統計値の本来の分布を、適切な帰無分布と比較する場合に、改変t-統計値の頻度の増加が、（改変t-統計値）／（標準偏差）＜～1に対して明らかである。FDRを、改変t-統計値の本来の分布に対する、帰無分布の目的の領域の比として決定する。

【0279】

（7．早期再発前立腺癌にて差示的に発現した遺伝子の利用による、攻撃性前立腺癌の候補分類子の開発：43遺伝子分類子）

本発明者らは、未知のサンプルの分類に適用可能である、既知のサンプルに基づく、分類ルールを開発することを追求した。項目5にて計算した改変t-統計値（U133Aサンプル）を、分類ルールを構築するための基礎として利用した。本発明者らは、すべての細胞型に関して、もっともよい1024改変t-統計値に貢献している1024の遺伝子を選択した。いくつかの遺伝子は、U133A GeneChip上の遺伝子に対して、多重プローブセットの存在のために、1つの改変t-統計値よりも寄与した。本発明者らは、もっとも良い改変t-統計値を有する、1024の遺伝子に対して以外、ガンマ＝0を設定することによって、Eqn（5）の型の制限モデルを構築した。本モデルを、対角線形判別分析のバージョンを利用することによって適合させた。一般化エラーおよび標準偏差を、連続的に、もっとも低い改変t-統計値を有する遺伝子を抜かすことによって、繰り返し10倍公差検定によって推定した。43遺伝子のセットを、表11で提供したように、最小の一般化エラーから、1標準偏差より小さな、一般化エラーを有するように選択した。

【0280】

種々のデータセットに適用した場合の、分類子の結果が、表7である。

【0281】

これらの結果は、本仮解析の非再発データが、必ずしも、5年以内に再発しうる場合の遺伝子の特徴を含まないため（～20%の全ての根本的前立腺摘除術患者再発、～40%、手術の2年以内の再発、～49%、3年以内の再発、Chung et al 2001）、低く見積もる可能性がある。

【0282】

分類子が、直接、細胞特異的遺伝子発現を考慮しないことに注目すべきである。

【0283】

（8．攻撃性前立腺癌に対する、非腫瘍に基づく間質分類子の開発）

連続凍結切片によって腫瘍細胞を含まないと確認された、腫瘍を有する前立腺からのサンプルを使用して、間質およびBPHにおける再発と関連した遺伝子を推測した。順列解析における、トップの144のダウンレギュレートされた遺伝子を、表12に列記している。さらに、トップの100のアップレギュレートされた遺伝子もまた、表13で列記している。

【0284】

144の遺伝子は、すべて、Support Vector Machine（SVM）アプリケーションに対する開始セットとして試験した。本方法は、細胞組成に依存しない様式で、2つもしくはそれ以上のデータセットを区別する、遺伝子のサブセットを追求する。したがって、これによって由来した分類子を、未知の細胞組成の独立データセットに適用しうる。

【0285】

144遺伝子分類子の、本発明者らの非腫瘍サンプルへの適用の結果が、79.1%のサンプル中の、再発状態の正確な分類子であった。本分類子を、結果は76%である、Febbo et al.（Febbo PG, Sellers WR. Use of expression analysis to predict outcome after radical prostatectomy. J Urol. 2003 Dec; 170（6 Pt 2）：S11-9；ディスカッションS19～20）の、既知の

再発例および非再発例からなる、全体が独立したデータセット上で試験した。しかしながら、Febbo et al. 2003は、腫瘍サンプルのみであり、腫瘍の割合が高い。これらの結果は、無作為予測を大きく上回る。以前のように、これらのパフォーマンス結果は、もっとも確実に、後期再発の場合を含む、この仮分析における、非再発データの利用により、低く見積もる可能性がある。

【0286】

多数の実施形態が、本明細書で記載されている。しかしながら、種々の改変を、本発明の方法、組成物およびキットの趣旨および範囲から逸脱しないで、実施しうることが理解されるであろう。したがって、改変が当業者によって理解されるため、本発明は、添付の特許請求の範囲によってのみ制限されることが意図される。

【0287】

【表 1 - 1】

表 1.

測定した遺伝子転写物のリアルタイム定量的RTPCRプライマーの遺伝子および配列

HUGO 名称	登録番号	UniGene	順方向プライマー (5'-3')	逆方向プライマー (5'-3')	長さ (bp)
グリセラルデヒド-3-リン酸	NM_002046	Hs.169476	GAAGGTGAAGGTGGGAGTC	GAAGATGGTGATGGGATTTC	226
デヒドロゲナーゼ	NM_001648	Hs.171995	TGGTGCTGCACCCCTCAT	CCAGGGTTGGGAATGCTTCT	70
カリクレイン3, (前立腺特異的抗原)	NM_000366	Hs.77899	GAAGATGCCGACCGCAAAT	CGTCCAGGTCGCTCTCAAT	68
トロポミオシン1(α)	NM_001613	Hs.195851	TGGTCATCCTCCCTTGAGAAGA	CGTTCAATTCGATGGTGATC	68
アクチン, $\alpha 2$, 平滑筋, 大動脈	NM_000088	Hs.172928	GGCTTCCCTGGTCCCTTG	GGGACCACGTTCAACCACTTG	78
コラーゲン, I 型, $\alpha 1$	NM_002151	Hs.823	TTTGTGTGTGAGGACAGCATCTC	GCCCCAACTCACAATGCC	66
ヘプシン (膜貫通)	NM_023009	Hs.75061	GCGCTGAGCAGAATGAGTAGCT	ACCTCACAAGGACAGCACAGTTT	79
プロテアーゼ, セリン1)	NM_006457	Hs.154103	CCTGGAAGCTCTGGGCTACAC	TTCCAAACTTTCACAACACACTGA	70
MARCKS様タンパク質					
LIM					
チモシン, $\beta 4$, Y	NM_004202	Hs.159201	GCGACCTGGGCTCCATT	AGCCACTTCCGCGTTCAAG	63
染色体	NM_005551	Hs.181350	CGTGCCCTCATCCAGTCT	GCCAGGGTTGGGAATGCT	65
カリクレイン2, 前立腺					
酸ホスファターゼ,					
前立腺	NM_001099	Hs.1852	TTTCTCAGGGCAGATGATGCT	AAGCCCATTTTCTCAAAGCT	71
セラチン15	NM_002275	Hs.80342	CTCCAGTCCCTGCCCTTCAGA	GCATGCAAAAGCCCTGAAATAA	66
セラチン5 (単純型表皮水疱症, Dowling-					
Meara/Kobner/Weber-Cockayne 型)	NM_000424	Hs.433845	CACAGAGATGAACCGGATGATC	TTGGCGCACTGTTTCTTGAC	69
プロスタグランジンD2シクターゼ (21kD, 脳)	NM_000954	Hs.8272	GGGCTTCACAGAGGATACCAAT	AGTCCTATTGTTCCGTGATGCA	68
CD44 抗原 (ホーミング機能およびインド人血球系)					
トロポミオシン2(β)	NM_000610	Hs.169610	CCTCTGCAAGGCTTCAATAGC	CGATGCTCAGAGCTTCTCCAT	65
デスミン	NM_003289	Hs.300772	CGAGAGCCGAGCCAGACA	CTCTGAGGCCATCAGGGACTT	76
形質転換成長	NM_001927	Hs.279604	CCAGTCCTACACCTGCGAGATT	CCTCCAATTCCCGCATCTG	77
	NM_000660	Hs.1103	CTCTCCGACCTGCCACAGA	AACCTAGATGGGCGCGCATCT	72

【表 1 - 2】

HUGO 名称	登録番号	UniGene	順方向プライマー (5'-3')	逆方向プライマー (5'-3')	長さ (bp)
因子, β 1 (Camurati-Engelmann 病)					
フィラミンA, α (アクチン結合タンパク質280)	NM_001456	Hs.195464	CAGGCTTGGTGTCTGCTTACG	TCCCGCATTTGCTCGTGTT	89
ミオシン, 軽ポリペプチド 9, 調節	NM_006097	Hs.9615	TTAAGGAGGCTTCAACATGATTG	GTCGTGCAGGTCCTCCTTGT	68
ミオシン, 重					
ポリペプチド11, 平滑筋					
シナプトグリン1	NM_002474	Hs.78344	ACGGGAGAGCTGGAAAAGC	TTTTGGCGTTGCCGAAAG	67
真核生物翻訳	NM_004711	Hs.6139	CCAAAGGACAGCAGTGATGGA	CCGGATTGGAAAAATGAAGTCA	79
伸長因子1 α					
1	NM_001402	Hs.181165	CTGAACCATCCAGGCCAAAT	GCCGTGTGGCAATCCAAT	59
単一指向ホモログ2					
(Drosophila)	NM_005069.2	Hs.27311	TTTAGGACCGTGGGTCATGC	ATAGCTGAGTGCCTGGAGAGG	77
α -メチルアシル-CoA					
ラセマーゼ	NM_014324.2	Hs.128749	GTGAAACAGAGTGATTGGTTGCA	GAATGTGCTTAGAGGGAGATCAIGA	70
UDP-N-アセチルグルコサミン	NM_003115.2	Hs.21293	CTCTCCTCTTATCTCCTATGCTGA	CGATGATTAGAGGTGCATGGAA	80
ピロホスホリラーゼ1					
RAB4A, メンバー-RAS	NM_004578.2	Hs.119007	GAGACAGCTGAGGTCACCGC	ATTGTGTCCCAAATGCCACTG	104
オンコジーンファミリー	NM_001775.1	Hs.66052	CACCATAAAAGAGCTGGAATCGA	GTGCAAGATGAATCCTCAGGATTT	120
CD38 抗原 (p45)					
ホメオボックスA9	NM_002142.3		GTAGTGGAAATATGCTTCTGTATAA	CATCCCCGAGAACACTTAAAATTT	108
チューブリン, α 1 (精巢特異的)	NM_006000.1	Hs.75318	TCTGTTTGTCTGTTTCATGACCCT	AAGAACCCCTTTGCAGGTCTC	65
アラキドン酸15-					
リボキシゲナーゼ, 第二型	NM_001141.1	Hs.111256	CATGCGAGGGCTTCATAGC	GATGCCCCCTCGAGATCTGG	197

(表2)

インデックス	Bstat	Sstat	Tstat
プローブID	Acc	LLID	UGID
CLS	subCLS	metaCLS	名称
1	2.81589	-1.6761	0.559979
37355_at	D38255	10948	Hs.77628
C	BS		ステロイド誘発性急性調
節タンパク質関連			
2	2.62867	-1.29977	0.645402
35078_at	X93093	3386	Hs.108287
C	BS		"細胞間接着分子4,Lan
dsteiner-Wiener血液型"			
3	3.1919	-1.8788	0.68089
37472_at	U60337	4126	Hs.115945
C	BS		"マンノシダーゼ, β A, リ
ソソーム"			
4	2.40309	-1.58609	0.445722
39987_at	AL022395	5454	Hs.182505
C	BS		"POUドメイン, クラ
ス3, 転写因子2"			
5	2.66955	-2.09524	0.42267
33441_at	L41143	6988	Hs.250894
C	BS		T細胞白血病転座改変遺
伝子			
6	2.69561	-1.79306	0.596898
37396_at	AF094760	8625	Hs.296776
C	BS		調節因子X関連暗記リ
ン含有タンパク質			
7	2.67127	-2.00529	0.475847
38670_at	AL031685	55905	Hs.10590
C	BS		ジンクフィンガータ
ンパク質313			
8	3.65455	-2.78172	0.573229
41540_at	Z50749	5510	Hs.36587
C	BS		"プロテインホスファタ
ーゼ1, 調節サブユニット7"			
9	3.39638	-2.77852	0.398727
38576_at	AJ223353	3017	Hs.180779
C	BS	T	"H2Bヒストンファミ
リー, メンバーB"			
10	2.50397	-1.94196	0.354239
39033_at	Z78368	9528	Hs.11441
C	BS		染色体 1 オープンリー
ディングフレーム8			
11	2.62611	-2.27858	0.425985
33402_at	AL035081	11015	Hs.250696
C	BS		KDEL (Lys-Asp-Glu
-Leu) 小胞体タンパク質 保持レセプター3			
12	2.55755	-1.62106	0.672103
40220_at	AB021179	10614	Hs.15299

	C	BS		HMBA誘導性
13	2.40389	-2.01021		0.648548
	36761_at	AL079276	58495	Hs.71935
	C	BS		EUROIMAGE 566589に
	由来する推定ジンクフィンガータンパク質			
14	2.96547	-2.30118		0.829586
	38922_at	AF097738	8711	Hs.203420
	C	BS		"チロシンキナーゼ,
	非レセプター,1"			
15	2.62867	-2.27441		0.615852
	41271_at	Y18483	23428	Hs.22891
	C	BS		"溶質キャリアファミ
	リー7 (カチオン性アミノ酸トランスポーター,y+系), メンバー8"			
16	4.47472	-3.39639		1.15546
	33766_at	X77777		C
	BS			
17	2.50733	-2.2633		0.508867
	37430_at	U78294	247	Hs.111256
	C	BS		"アラキドン酸15-リボキ
	シゲナーゼ, 第2型"			
18	2.78605	-2.31812		0.560308
	33854_at	AA877795	51382	Hs.272630
	C	BS		"ATPase, H+輸送リ
	ソソーム(空胞プロトンポンプ), メンバーM"			
19	2.45458	-1.72474		0.650872
	37315_f_at	AI057607	55837	Hs.7731
	C	BS		特徴付けされてい
	ない骨髄タンパク質BM036			
20	3.01582	-1.93577		-0.271885
	32200_at	M24902	55	Hs.1852
	C	BS		"酸ホスファターゼ, 前立
	腺"			
21	2.65982	-0.725228		0.425806
	41240_at	AA772359	5683	Hs.181309
	C	BS		"プロテアソーム(
	プロソーム, マクロペイン)サブユニット, α型,2"			
22	3.37201	-1.7703		0.127937
	35863_g_at	S78203	6565	Hs.182575
	C	BS		"溶質キャリアファミ
	リー15 (H+/ペプチドトランスポーター), メンバー2"			
23	2.58759	-1.49723		0.0350294
	41300_s_at	AA477898	9445	Hs.2396
25	C	BS		内在性膜タンパ
	ク質2B			
24	2.4595	-1.05369		0.262492
	33006_at	AF048700	27290	Hs.129778
	C	BS		"セリンプロテアー
	ゼインヒビター, Kazal型4"			
25	2.4139	-1.10574		0.123654
	34952_at	X95826	420	Hs.13776

	C	BS			Dombrock血液型
26	2.58502		-1.14652		0.192299
	33639_g_at	AA584202			
	C	BS			
27	2.45445		-1.26877		0.0745647
	34292_at	X92475		8269	Hs.23119
	C	BS			染色体Xオープンリー
	ディングフレーム12				
28	2.58041		-1.57131		0.056166
	40739_at	M83670		762	Hs.89485
	C	BS			炭酸脱水酵素IV
29	2.51239		-1.36838		0.14423
	32201_at	Z96932		8636	Hs.18528
	C	BS			Sjogren's症候群核自己
	抗原1				
30	3.17964		-1.94267		0.208058
	36538_at	AB018314		23368	Hs.6162
	C	BS			"プロテインホスファ
	ターゼ1, 調節因子(インヒビター)サブユニット 13B"				
31	3.01364		-1.42001		0.427837
	39211_at	AF091080		55702	Hs.21811
	C	BS			仮想タンパク質FLJ1
0374					
32	2.46621		-1.45284		0.17701
	36137_at	X86691		1108	Hs.74441
	C	BS			染色領域ヘリカーゼDNA
	結合タンパク質4				
33	2.44788		-1.07009		0.346596
	35082_at	AF028706		7547	Hs.111227
	C	BS			"Zicファミリーメン
	バー3 ヘテロタキシ1 (異対ホモログ, Drosophila)"				
34	3.05031		-1.96679		0.0786032
	39435_at	D45333		5201	Hs.132881
	C	BS			プレフォルジン 1
35	2.5601		-1.63392		0.0951191
	33473_at	D63813		27098	Hs.26886
	C	BS			クラスタリン様 1 (網
	膜)				
36	2.68831		-1.80748		0.371193
	41443_at	U63127		23550	Hs.110121
	C	BS			SEC7ホモログ
37	2.54217		-1.31716		0.493759
	31524_f_at	Z80782		8346	Hs.182140
	C	BS			"H2Bヒストンファミ
	リー, メンバーK"				
38	2.76889		-1.86085		0.322954
	41057_at	AI760162		55856	Hs.9676
	C	BS			特徴付けされていない
	い視床下部タンパク質HT012				
39	3.90792		-2.35793		0.606669

	31941_s_at	AJ010232	10738	Hs.1677
51	C	BS		ret フィンガー
タンパク質様 3				
40	2.77111	-1.81391	0.35667	
	40764_at	M22632	2806	Hs.170197
	C	BS		"グルタミン酸-オキサ
ロ酢酸トランスアミナーゼ 2, ミトコンドリア (アスパラギン酸アミノトランスフェラーゼ2)"				
41	2.99069	-1.33597	0.582578	
	35915_at	X82540	3626	Hs.374664
	C	BS		"インヒビン, β C"
42	2.48781	-1.63041	0.196905	
	39631_at	U52100	2013	Hs.29191
	C	BS		上皮膜タンパク質2
43	2.40608	-0.971354	0.527317	
	35492_at	AC004523	66002	Hs.18057
0	C	BS		シトクロムP450
アイソフォーム4F12				
44	2.83772	-2.11275	0.0504616	
	41473_at	L05779	2053	Hs.113
	C	BS		"エポキシドヒドロラー
ゼ2, 細胞質"				
45	3.45057	-2.05895	0.342492	
	39244_at	M28211	5867	Hs.119007
	C	BS		"RAB4, メンバーRASオ
ンコジーンファミリー"				
46	2.43773	-1.18435	0.394705	
	31533_s_at	AF048713	3752	Hs.18488
9	C	BS		"カリウム電位型
チャンネル,Shal 関連サブファミリー, メンバー3"				
47	2.6863	-1.65492	0.342817	
	34462_at	U38254	6339	Hs.112842
	C	BS		"ナトリウムチャンネル,
非電位型1, δ "				
48	2.59452	-1.24917	0.523505	
	33338_at	M97936	6772	Hs.21486
	C	BS		"シグナルトランスデュ
ーサーおよび転写の活性化因子 1, 91kD"				
49	2.77094	-1.2836	0.538565	
	37881_at	AF100907	10220	Hs.339699
	C	BS		成長分化因子 11
50	3.17614	-2.11009	0.269054	
	34859_at	Z98046	10916	Hs.4943
	C	BS		"黒色腫抗原,ファミリー
ー D,2"				
51	2.40871	-1.22592	0.409316	
	36881_at	X71129	2109	Hs.74047
	C	BS		"電子伝達フラビンタン
パク質, β ポリペプチド"				
52	2.87076	-1.72913	0.35747	

1635_at	U07563	25	Hs.146355
C	BS		v-abl Abelsonマウス白血
病ウイルスオンコジーンホモログ 1			
53	2.69826	-1.83974	0.215642
41129_at	D26067	23027	Hs.174905
C	BS		KIAA0033タンパク質
54	2.75269	-0.795489	-0.277561
32655_s_at	X87613	10902	Hs.5464
C	BS		甲状腺ホルモンレ
セプター共活性化タンパク質			
55	2.43888	-0.314455	0.150376
38349_at	AF038564	83737	Hs.98074
C	BS		イチィホモログE3
ユビキチンタンパク質リガーゼ (マウス)			
56	2.82014	-1.16166	-0.526015
41058_g_at	AI760162	55856	Hs.967
6	C	BS	特徴付けされてい
ない視床下部タンパク質HT012			
57	2.62309	-0.779799	-0.237128
38850_at	M11119		
C	BS		
58	3.00263	-1.15765	-0.50371
35487_at	AF019085	676	Hs.178281
C	BS		"プロモドメイン, 精
巢特異的"			
59	2.75632	-0.967585	-0.379905
31868_at	AF060798	8576	Hs.15300
3	C	BS	セリン/トレオニ
ンキナーゼ16			
60	4.02328	-1.59364	-0.553383
284_at	L19778	8969	Hs.51011
C	BS		"H2Aヒストンファミリー
, メンバーP"			
61	2.91127	-0.735148	-0.0514612
32439_at	M75110	496	Hs.813
C	BS		"ATPase, H+/K+交換,
βポリペプチド"			
62	2.75143	-0.793086	-0.0911111
35976_at	U65092	4435	Hs.40403
C	BS		"Cbp/p300相互作用
トランス活性化因子,Glu/Aspリッチカルボキシ末端ドメインを含む, 1"			
63	2.48923	-0.597147	0.0181891
37041_at	AB023160	23192	Hs.3525
35	C	BS	KIAA0943タンパ
ク質			
64	2.92709	-1.21703	-0.362971
36535_at	U04209	4236	Hs.61418
C	BS		ミクロフィブリル関連
タンパク質 1			
65	2.79372	-0.973544	-0.175515

34951_at	D10923	8843	Hs.137555
C	BS		推定ケモカインレセ
プター; GTP結合タンパク質			
66	2.86304	-1.39852	-0.165861
32466_at	Z12962	6171	Hs.356795
C	BS		リボソームタンパク
質 L41			
67	2.80524	-0.850395	0.316045
37631_at	U14391	4643	Hs.82251
C	BS		ミオシンIE
68	4.10964	-2.02754	-0.116041
40323_at	D84276	952	Hs.66052
C	BS		CD38抗原 (p45)
69	2.95165	-1.382	-0.0516231
36959_at	U49278	7335	Hs.75875
C	BS		ユビキチン結合酵素E2
改変体1			
70	2.40074	-1.00834	0.0380454
34798_at	Z35491	573	Hs.41714
C	BS		BCL2関連アサノージェン
71	2.76895	-1.29639	-0.0896436
39133_at	AI525379	2647	Hs.94672
C	BS		アミノ酸合成のGCN
5一般的制御 5様 1 (酵母)			
72	2.67565	-1.31869	-0.109204
40684_at	U78190	2644	Hs.83081
C	BS		GTP シクロヒドロラー
ゼ I フィードバック抑制タンパク質			
73	2.44076	-1.05625	-0.000151644
1960_at	L22967		
C	BS		
74	3.42929	-1.79489	-0.368853
37331_g_at	U24266	8659	Hs.77448
C	BS		"アルデヒドデヒド
ロゲナーゼ4ファミリー,メンバーA1"			
75	2.9393	-1.10307	0.00325696
1141_at	L27080	4161	Hs.248145
C	BS		メラノコルチン 5レセ
プター			
76	3.08641	-1.65133	-0.424492
36781_at	X01683	5265	Hs.297681
C	BS		"セリン (またはシス
テイン)プロテイナーゼインヒビター,クレード A (α -1 抗プロテイナーゼ, 抗トリプシ			
ン), メンバー1"			
77	2.88387	-1.4238	-0.310875
38138_at	D38583	6282	Hs.256290
C	BS		S100カルシウム結合タ
ンパク質A11 (カルギザリン)			
78	2.88861	-1.05208	0.000621169
38186_g_at	U45255	5076	Hs.1556

44	C	BS		対ボックス遺伝
子 2				
79	2.58873	-1.15249	-0.164416	
	33292_at	AL008583	10126	Hs.18259
5	C	BS		"ダイニン, 軸糸,
	軽ポリペプチド4"			
80	2.64403	-1.10762	-0.236133	
	37817_at	AF052087	58509	Hs.12842
5	C	BS		NY-REN-24抗原
81	2.81797	-0.798145	0.0298431	
	34692_r_at	AF006087	10093	Hs.32
3342	C	BS		"アクチン関連
	タンパク質 2/3複合体,サブユニット4 (20 kD)"			
82	2.66705	-1.39361	-0.462387	
	306_s_at	J02621	3150	Hs.251064
	C	BS		高移動度群 (非ヒス
	トン染色体)タンパク質14			
83	3.19645	-1.7764	-0.589527	
	36029_at	U57911	744	Hs.46638
	C	BS	C	染色体 11 オープンリ
	ーディングフレーム8			
84	2.48575	-0.950549	-0.117643	
	38463_s_at	U29926	272	Hs.83918
	C	BS		アデノシンーリン酸
	デアミナーゼ (アイソフォームE)			
85	3.56449	-1.31623	-0.126425	
	41479_s_at	AF029670	5889	Hs.1139
3	C	BS		RAD51ホモログ C
	(S. cerevisiae)			
86	2.44308	-0.792425	-0.00263367	
	33532_at	U31986	8092	Hs.41683
	C	BS		軟骨対クラスホメ
	オプロテイン 1			
87	1.95889	2.03018	-2.77381	
	34280_at	Y09765	2564	Hs.22785
	C	BT	C	"γ アミノ酪酸(GABA) A
	レセプター, ε "			
88	2.38435	2.45388	-2.9612	
	36221_at	X84195	98	Hs.31791
	C	BT		"アシルホスファターゼ 2,
	筋肉型"			
89	2.17301	2.23183	-2.61698	
	41472_at	AL078641	60489	Hs.250619
	C	BT		フォルボリン様タン
	パク質MDS019			
90	2.26859	2.29832	-3.56388	
	33020_at	AF059575	4010	Hs.133709
	C	BT		"LIM ホメオボックス
	転写因子1, β "			
91	2.61573	2.64404	-2.95603	

34663_at	M28696	2213	Hs.278443
C	BT		"IgGのFcフラグメント,
低親和性IIb, (CD32) についてのレセプター"			
92	1.35594	1.39318	-2.46178
35653_at	U28963	2874	Hs.7301
C	BT		Gタンパク質経路サプレッ
サ 2			
93	2.84213	2.89794	-3.88515
36346_at	U14910	5995	Hs.1544
C	BT		網膜 Gタンパク質結合レ
セプター			
94	1.92617	1.96204	-2.59806
34674_at	X58079	6271	Hs.292707
C	BT		S100カルシウム結合タ
ンパク質A1			
95	1.74241	1.65043	-2.87676
38075_at	X68194	6856	Hs.80919
C	BT		シナプトフィジン様タン
パク質			
96	2.16794	2.11106	-2.63932
37926_at	D14520	688	Hs.84728
C	BT		Kruppel様因子5 (腸)
97	1.87131	1.86789	-2.49929
36704_at	AB030654	11154	Hs.50628
C	BT		"アダプター関連タン
パク質複合体 4, σ 1サブユニット"			
98	2.57069	2.54112	-3.83495
41618_at	M91669	1308	Hs.117938
C	BT		"コラーゲン, XVI型I,
α 1"			
99	1.911	1.87979	-2.46898
31441_at	X55989		C
BT			
100	2.22454	2.18813	-2.43468
33230_at	AJ131186	27339	Hs.173980
C	BT		スプライシング
因子に関連する核マトリックスタンパク質NMP200 PRP19			
101	2.09924	2.34063	-3.17803
35736_at	AL050091	26006	Hs.6283
C	BT		DKFZP586F1918タンパ
ク質			
102	2.06809	2.32385	-3.11536
38913_at	U60319	3077	Hs.20019
C	BT		ヘモクロマトーシス
103	2.12928	2.37469	-3.05636
574_s_at	M87507	834	Hs.2490
C	BT		"カスパーゼ 1, アポトー
シス関連システインプロテアーゼ (インターロイキン1, β , コンバーターゼ)"			
104	1.57159	1.76824	-2.53214
32664_at	D37931	6038	Hs.283749

	C	BT	C	"リボヌクレアーゼ,
	RNase Aファミリー,4"			
105	1.81164		2.08635	-2.78235
	41078_at	D63484	23144	Hs.98508
	C	BT		KIAA0150タンパク質
106	2.58204		2.94168	-4.17567
	1886_at	U53476	7476	Hs.72290
	C	BT		"ウイングレス型 MMTV統
	合部位ファミリー,メンバー7A"			
107	1.41042		1.64273	-2.81291
	1241_at	U14603	8073	Hs.82911
	C	BT	C	"タンパク質チロシンホ
	スファターゼ IV型A,メンバー2"			
108	1.45429		1.63311	-2.97983
	37403_at	X05908	301	Hs.78225
	C	BT	C	アネキシンA1
109	2.07422		2.24065	-2.68923
	39649_at	X78817	393	Hs.3109
	C	BT		Rho GTPase活性化タンパ
	ク質4			
110	2.60191		2.72935	-3.74917
	1882_g_at	D43969	861	Hs.129914
	C	BT		runt関連転写因子1 (
	急性骨髄性白血病1; aml1オンコジーン)			
111	2.41006		2.55068	-3.30194
	41699_f_at	AL080149	23774	Hs.1279
50	C	BT		ブロモドメイン
	含有1			
112	1.90506		2.00812	-2.50448
	39676_at	X52011	4618	Hs.35937
	C	BT		筋原因子6 (ヘルクリン)
113	2.23317		2.37777	-2.8186
	39694_at	W27517	79073	Hs.13662
	C	BT		仮想タンパク質MGC5508
114	1.78836		1.90369	-2.44842
	36648_at	AF031383	9443	Hs.279902
	C	BT		"Sp1 転写活性化,サ
	ブユニットに必要な補因子 9 (33kD)"			
115	2.56686		1.82163	-2.68051
	40862_i_at	X15334	1152	Hs.173724
	C	BT		"クレアチンキナー
	ゼ, 脳"			
116	2.09588		1.48076	-2.47106
	AFFX-MurIL10_at	M37897	16153	Mm.8
74	C	BT		インターロイキ
	ン10			
117	2.30728		1.66253	-2.43231
	38484_at	D21267	6616	Hs.84389
	C	BT		"シナプトソーム関連タ
	ンパク質,25kD"			

118	3.6582	2.58829	-4.62545
36591_at	X06956	7277	Hs.75318
C	BT		"チューブリン, α 1 (精
巢特異的)"			
119	2.38803	1.628	-3.3613
33933_at	X63187	10406	Hs.2719
C	BT	C	WAP 4 つのジスルフィドコ
アドメイン 2			
120	2.29225	1.7277	-2.43641
36732_at	AI004207	89845	Hs.55879
C	BT		仮想タンパク質FLJ00
002			
121	3.45685	2.65097	-3.4433
41719_i_at	AF009767	3992	Hs.132898
C	BT		脂肪酸不飽和化酵
素 1			
122	2.55192	1.8935	-3.05288
927_s_at	J05582	4582	Hs.89603
C	BT		"ムチン1, 膜貫通"
123	2.34024	1.78317	-2.8797
37360_at	U66711	4061	Hs.77667
C	BT		"リンパ球抗原 6複合体,
locusE"			
124	2.25011	1.75577	-2.49127
1607_at	L36844	1030	Hs.72901
C	BT		"サイクリン依存性キナ
ーゼインヒビター2B (p15, 阻害 CDK4)"			
125	2.81808	2.21144	-3.18577
39570_at	W22289	25910	Hs.184793
C	BT		DKFZP434F195タンパ
ク質			
126	2.24573	1.70567	-3.22748
32139_at	Y09538	7739	Hs.16622
C	BT		ジンクフィンガータン
パク質185(LIMドメイン)			
127	2.32009	1.8561	-2.43833
37418_at	M36653	5452	Hs.1101
C	BT		"POUドメイン, クラス2,
転写因子2"			
128	2.06415	1.59852	-2.98316
31791_at	Y16961	8626	Hs.137569
C	BT		p53に対する強いホモ
ロジーを有する腫瘍タンパク質 63 kDa			
129	1.97972	1.55924	-2.85923
41839_at	L13698	2619	Hs.65029
C	BT	C	成長停止特異的 1
130	2.04978	1.69628	-2.8094
37076_at	M91463	6517	Hs.95958
C	BT		"溶質キャリアファミリ
ー2 (促進性 グルコーストランスポーター), メンバー4"			

131	2.21462	1.85793	-2.70387
32248_at	AL045811	80335	Hs.194110
C	BT		仮想タンパク質PRO
2730			
132	3.49493	2.89847	-3.69553
41080_at	AI218431	8263	Hs.83363
C	BT	T	凝固因子 VIII 関連
(イントロン転写物)			
133	2.36325	1.9019	-3.21334
1165_at	D49950	3606	Hs.83077
C	BT		インターロイキン18 (イ
ンターフェロン- γ -誘導因子)			
134	2.77325	2.3293	-2.83406
39015_f_at	L42611	3853	Hs.334309
C	BT		ケラチン 6A
135	2.14348	1.76841	-2.55407
40602_at	AF052178		
C	BT		
136	1.95777	1.60377	-2.48125
32506_at	AB029031	23216	Hs.278586
C	BT		"TBC1 (tre-2/USP6
, BUB2, cdc16) ドメインファミリー, メンバー1"			
137	1.96542	1.61534	-2.42709
34644_at	AB021288	567	Hs.75415
C	BT		β -2-ミクログロブリ
ン			
138	2.81636	2.60308	-4.14076
33883_at	AB001466	10278	Hs.24587
C	BT	C	シグナル伝達タン
パク質 (SH3 含有)			
139	2.14147	1.98321	-3.18575
41401_at	U57646	1466	Hs.10526
C	BT	C	システインおよびグリ
シンリッチタンパク質 2			
140	2.07284	1.85817	-3.00969
39382_at	AB011089	23321	Hs.12372
C	BT		3部のモチーフ含有2
141	1.92327	1.75521	-2.51946
38360_at	AI688812	10235	Hs.99491
C	BT		RAS グアニル放出タ
ンパク質 2 (カルシウムおよびDAG-調節)			
142	1.9634	1.79927	-2.41513
39251_at	M74091	892	Hs.118442
C	BT		サイクリン C
143	2.69002	2.37954	-3.61323
35755_at	U51336	3705	Hs.6453
C	BT		"イノシトール 1,3,4-三
リン酸 5/6キナーゼ"			
144	1.97432	1.74163	-2.75614
39915_at	AB001535	7226	Hs.133151

	C	BT		過渡レセプター電位
チャンネル 7				
145	2.0924	1.83618	-2.46037	
38127_at		Z48199	6382	Hs.82109
C		BT		シンデカン1
146	2.2901	1.97501	-2.83855	
36499_at		D87469	1952	Hs.57652
C		BT		"カドヘリン, EGF LAG 7
回貫通 G型レセプター2(フラミンゴホモログ, Drosophila)"				
147	1.87945	1.61714	-2.47859	
32793_at		X00437	6957	Hs.303157
C		BT		Tcellレセプターβ位
置				
148	4.01291	2.43632	-4.43112	
330_s_at		X06956	7277	Hs.75318
C		BT		"チューブリン, α 1 (
精巢特異的)"				
149	2.82471	1.75185	-2.95017	
40899_at		Y00503	3880	Hs.182265
C		BT		ケラチン 19
150	2.90129	1.84531	-2.77419	
39462_s_at		W26340	54805	Hs.271221
C		BT		サイクリン M2
151	2.29017	1.3741	-2.8211	
32824_at		AF039704	1200	Hs.20478
C		BT		"セロイド脂褐素症, ニ
ューロン 2, 乳児性の後期(Jansky-Bielschowsky病)"				
152	2.40832	1.62388	-1.90198	
32136_r_at		U44429	7164	Hs.16611
C		BT		腫瘍タンパク質 D52
様 1				
153	2.5248	1.7183	-2.46262	
37102_at		AA203717	25855	Hs.100426
C		BT		乳癌転移サプレッサ
1				
154	2.41585	1.65354	-2.10407	
36682_at		L27841	5108	Hs.75737
C		BT		中心粒外周視覚物質 1
155	3.50988	2.25019	-3.83415	
36929_at		U17760	3914	Hs.75517
C		BT		"ラミニン, β 3 (ナ
イセイン(125kD), カリーニン (140kD), BM600 (125kD))"				
156	2.27573	1.45289	-2.49861	
40837_at		M99436	7089	Hs.332173
C		BT		"split 2のトランスデ
ューシン様エンハンサー (E(sp1)ホモログ, Drosophila)"				
157	2.65483	1.59144	-2.53695	
40863_r_at		X15334	1152	Hs.173724
C		BT		"クレアチンキナー
ゼ, 脳"				

158	2.99282	1.78555	-2.89253
162_at	U44839	8237	Hs.171501
C	BT		ユビキチン特異的プロテ
アーゼ11			
159	2.57718	1.56219	-2.36555
34809_at	H53921	23387	Hs.343557
C	BT		KIAA0999タンパク質
160	3.43823	1.96074	-3.5586
1898_at	L24203	23650	Hs.82237
C	BT		3部のモチーフ含有29
161	2.48215	1.31366	-3.01984
39581_at	AA570193	1475	Hs.2621
C	BT		シスタチン A (ステフ
イン A)			
162	2.43772	1.27187	-2.20929
37480_at	L33410	7066	Hs.1166
C	BT		"トロンボポエチン (骨
髄増殖性白血病ウイルスオンコジーンリガンド, 巨核球増殖発達因子)"			
163	3.36336	1.78564	-3.53806
37005_at	D28124	4681	Hs.76307
C	BT	C	"神経芽細胞腫, 腫瘍
形成能の抑制1"			
164	2.71107	1.56868	-2.25572
35018_at	U61538	11261	Hs.85301
C	BT		カルシウム結合タンパ
ク質P22			
165	2.59848	1.32856	-2.60987
41422_at	D78011	1807	Hs.10755
C	BT		ジヒドロピリミジナー
ゼ			
166	2.46794	1.29015	-2.40673
37019_at	J00129	2244	Hs.7645
C	BT		"フィブリノゲン, B β
ポリペプチド"			
167	2.50913	1.38897	-2.21451
33851_at	W28854	29105	Hs.279818
C	BT		マウス Glt3またはD.
malanogaster転写因子IIBに類似			
168	2.74752	1.3749	-3.01241
41120_at	D14686	275	Hs.102
C	BT		アミノメチルトランスフェ
ラーゼ (グリシン開裂系タンパク質T)			
169	2.54397	1.36946	-2.37438
39582_at	AL050166		
C	BT		
170	2.58323	1.27181	-3.04092
613_at	M21389	3852	Hs.195850
C	BT	C	"ケラチン 5 (単純型先
天性表皮水疱症, Dowling-Meara/Kobner/Weber-Cockayne型)"			
171	2.88419	1.62566	-2.47197

8	41720_r_at	AF009767	3992	Hs.13289
	C	BT		脂肪酸不飽和化酵
172				
	34738_at	L11931	6470	Hs.8889
	C	BT		セリンヒドロキシメチル
	トランスフェラーゼ1 (可溶性)			
173				
	40599_at	AL109669	80765	Hs.172803
	C	BT		仮想タンパク質MGC
10327				
174				
	35200_at	X92518	8091	Hs.2726
	C	BT		高移動度群 (非ヒストン
	染色体) タンパク質アイソフォーム I-C			
175				
	39657_at	X07695	3851	Hs.3235
	C	BT		ケラチン 4
176				
	36269_at	AB002364	9508	Hs.27916
	C	BT		"トロンボスポンジン
	型 1モチーフを有するディスインテグリン様およびメタロプロテアーゼ(レプロリシン型)			
	), 3"			
177				
	38611_at	X07228	3990	Hs.9994
	C	BT		"リパーゼ, 肝臓"
178				
	36832_at	AB015630	10331	Hs.69009
	C	BT		"UDP-GlcNAc: β Gal
	β -1,3-N-アセチルグルコサミニルトランスフェラーゼ3"			
179				
	41077_at	AB011115	23145	Hs.98507
	C	BT		KIAA0543タンパク質
180				
	41809_at	AI656421	79161	Hs.322404
	C	BT		仮想タンパク質MGC4
175				
181				
	40808_at	U03749	1113	Hs.172216
	C	BT		クロモグラニン A (副甲
	状腺 分泌タンパク質 1)			
182				
	38520_r_at	U35735	6563	Hs.171731
	C	BT	C	"溶質キャリアファ
	ミリー14 (尿素トランスポーター), メンバー1 (Kidd血液型)"			
183				
	39220_at	T92248	7356	Hs.2240
	C	BT		ウテログロビン
184				
	38342_at	D87076	23338	Hs.9729

	C	BT	C	KIAA0239タンパク質
185	2.52849		1.28016	-1.90806
	40428_i_at	AW043812		
	C	BT		
186	2.56015		0.863756	-1.93082
	39458_s_at	L11372	79075	Hs.31516
7	C	BT		仮想タンパク質MG
C5528				
187	2.44891		0.896672	-1.64916
	1923_at	M74091	892	Hs.118442
	C	BT		サイクリン C
188	2.78522		0.938996	-1.97158
	41004_at	U43431	7156	Hs.91175
	C	BT		トポイソメラーゼ (DN
A) III α				
189	2.98946		1.1039	-1.9378
	35287_at	AF046888	8741	Hs.54673
	C	BT		"腫瘍壊死因子 (リガン
ド)スーパーファミリー,メンバー13"				
190	2.45352		0.841454	-1.7265
	39894_f_at	Z98885	23774	Hs.127950
	C	BT		ブロモドメイン含
有1				
191	2.99501		1.16413	-1.76883
	37888_at	D87449	23169	Hs.82635
	C	BT		UDP-グルクロン酸/UDP
-N-アセチルガラクトサミン二重トランスポーター				
192	2.58316		0.935974	-1.70154
	39618_at	U43328	1404	Hs.2799
	C	BT		軟骨連結タンパク質 1
193	3.12082		0.961947	-2.07465
	34001_at	AF033199	7754	Hs.8198
	C	BT		ジンクフィンガータ
ンパク質204				
194	2.62357		0.838192	-1.69543
	39253_s_at	M29893	5898	Hs.6906
	C	BT		v-ralサル白血球ウ
イルスオンコジーンホモログ A (ras関連)				
195	2.71359		0.811484	-1.97604
	32300_s_at	M17589	7054	Hs.178237
	C	BT		チロシンヒドロキ
シラーゼ				
196	2.7046		0.722479	-2.20603
	926_at	J03910	4495	Hs.334409
	C	BT		メタロチオネイン 1G
197	2.50761		0.805857	-1.77508
	41130_at	Y08698	8498	Hs.176657
	C	BT		RAN 結合タンパク質3
198	2.62869		0.796456	-2.006
	35085_r_at	AL049325		

C	BT				
199	2.51664	0.809003	-1.81193		
35116_at	X80821	23253	Hs.27973		
C	BT		KIAA0874タンパク質		
200	3.55751	1.36425	-2.57302		
39372_at	W26480	3992	Hs.132898		
C	BT		脂肪酸不飽和化酵素 1		
201	3.00096	1.09806	-2.31187		
39018_at	AF026977	4259	Hs.111811		
C	BT		ミクロソーム グル		
タチオン S-トランスフェラーゼ3					
202	2.92594	0.869115	-2.69117		
40365_at	M63904	2769	Hs.73797		
C	BT		"グアニンヌクレオチ		
ド結合タンパク質(Gタンパク質), α 15 (Gqクラス)"					
203	2.78115	1.05957	-1.9086		
32959_at	M25809	525	Hs.64173		
C	BT		"ATPase, H ⁺ 輸送, リソ		
ソーム (空胞プロトンポンプ), β ポリペプチド, 56/58kD, アイソフォーム 1 (難聴を伴うRenal 尿細管性アシドーシス)"					
204	3.57878	1.36971	-2.9992		
36195_at	U07681	3419	Hs.250616		
C	BT		イソクエン酸デヒドロ		
ゲナーゼ 3(NAD ⁺) α					
205	3.52555	1.5537	-2.38705		
33091_at	AF005220	3239	Hs.158309		
C	BT		ホメオボックス D13		
206	2.51629	1.05562	-1.85544		
35947_at	M98447	7051	Hs.22		
C	BT		"トランスグルタミナーゼ		
1 (K ポリペプチド 表皮I型, タンパク質-グルタミン-γ グルタミルトランスフェラーゼ)"					
207	3.1219	1.38304	-2.21669		
39566_at	X70297	1139	Hs.2540		
C	BT		"コリン作用性レセプター		
, ニコチン様, α ポリペプチド7"					
208	2.65575	1.02171	-2.2985		
201_s_at	S82297	567	Hs.75415		
C	BT		β -2- ミクログロブリン		
209	2.5658	1.06152	-1.98646		
41081_at	AF053305	699	Hs.98658		
C	BT		ベンズイミダゾールに		
よって阻害されないBUB1発芽 1ホモログ (酵母)					
210	2.61561	1.23505	-1.57822		
34451_at	AI190165	51678	Hs.108931		
C	BT		MAGUKタンパク質 p		
55T;Lins関連タンパク質2					
211	2.44077	1.0118	-1.90879		
39709_at	U67171	6415	Hs.14231		
C	BT		"セレン含有タンパク質		
W, 1"					

212	2.43119	0.933741	-1.84812
33945_at	D31797	959	Hs.652
C	BT		"腫瘍壊死因子 (リガンド
)スーパーファミリー, メンバー5(高IgM症候群)"			
213	3.37625	1.23411	-2.90683
36629_at	AI635895	1831	Hs.75450
C	BT		" δ 睡眠誘導タンパ
ク質, 免疫反応体"			
214	2.48711	0.960493	-1.93705
40632_at	L20860	2812	Hs.283743
C	BT		"糖タンパク質Ib (血
小板), β ポリペプチド"			
215	2.5612	1.00355	-1.98075
35382_at	AF043244	8996	Hs.278439
C	BT		核小体タンパク質 3
(CARDドメインを有するアポトーシスリプレッサ)			
216	2.42673	1.00368	-1.71766
38995_at	AF000959	7122	Hs.110903
C	BT		クラウディン 5 (口
蓋心顔面症候群で欠失した膜貫通タンパク質)			
217	2.42524	0.894302	-2.03212
37540_at	X69089	9172	Hs.79227
C	BT		ミオメシン (M-タンパ
ク質) 2(165kD)			
218	3.70689	-0.175761	-0.811315
38686_at	X71490	9114	Hs.106876
C	BT		"ATPase, H ⁺ 輸送,
リソソーム (空胞プロトンポンプ), メンバーD"			
219	3.05443	-0.274355	-0.970486
34743_at	D63481	23513	Hs.23978
C	BT		Drosophila Scrib
bleのヒトホモログ			
220	3.02288	-0.287749	-0.963059
34113_at	U18991	6121	Hs.2133
C	BT		網膜色素 上皮特異的
タンパク質(65kD)			
221	2.42466	-0.251701	-0.791947
1956_s_at	AF049656		
C	BT		
222	2.4651	-0.161108	-0.630967
38613_at	U61837	10467	Hs.10028
C	BT		推定サイクリン G1
相互作用タンパク質			
223	2.93305	-0.242325	-0.820456
35443_at	AF060543	23633	Hs.301
C	BT		カリオフィリン
α 6 (インポーチン α 7)			
224	2.51424	-0.366285	-0.895677
35899_at	AF109401	9048	Hs.1946
C	BT		アーテミン

225	3.06412	-0.212296	-0.827886
41258_at	N29665	9883	Hs.295112
C	BT		KIAA0618遺伝子産物
226	2.70899	-0.162713	-0.7169
40180_at	AB000732	8660	Hs.143648
C	BT		インスリンレセプター基質 2
227	2.72057	-0.435933	-1.30553
34825_at	AL031775	51567	Hs.4684
C	BT		TRAFおよびTNFレセプター関連タンパク質
228	2.47096	0.154969	-0.449227
31642_at	AB007970		
C	BT		
229	4.07045	-0.204776	-1.33438
36806_at	X83877	11256	Hs.289104
C	BT		ジンクフィンガードメインを含むAlu-結合タンパク質
230	2.77783	-0.233751	-1.03242
863_g_at	U04313	5268	Hs.55279
C	BT		"セリン (またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター, クレド B (オボアルブミン), メンバー5"
231	2.46828	-0.0925099	-0.77063
38273_at	AJ006268	11071	Hs.914
C	BT		"ATPase, クラスII, 型 9B"
232	3.03757	-0.334929	-1.15656
1787_at	U22398	1028	Hs.106070
C	BT		"サイクリン依存性キナーゼインヒビター1C (p57, Kip2)"
233	2.57829	-0.265296	-0.960502
36277_at	M23323	916	Hs.3003
C	BT		"CD3E抗原, ε ポリペプチド (Tit3複合体)"
234	2.49043	-0.393826	-1.08686
1685_at	X82554	10638	Hs.296169
C	BT		S期応答(サイクリン関連)
235	3.30304	-0.418112	-1.29581
1955_s_at	AF035528	4091	Hs.1538
C	BT		"MAD, decapentaplegicホモログ 6に対する母体(Drosophila)"
236	2.65496	-0.198192	-0.876552
38848_at	AI732905		
C	BT		
237	2.5685	-0.433714	-1.10029
32495_at	Z25884	1180	Hs.121483
C	BT		"クロライドチャネル1, 骨格筋(Thomsen病, 常染色体優性)"

238	2.57744	-0.407748	-1.0844
34408_at	AF004222	6253	Hs.3803
C	BT		レチキュロン 2
239	3.6105	-0.373901	-1.29361
36708_at	J04970	1368	Hs.334873
C	BT		カルボキシペプチダ
ーゼ M			
240	2.86858	-0.272343	-0.99534
37207_at	Z83850	6906	Hs.76838
C	BT		"セリン (またはシス
テイン)プロテイナーゼインヒビター,クレード A (α -1 抗プロテイナーゼ, 抗トリプシ			
ン), メンバー7"			
241	2.88593	-0.527071	-0.32405
35862_at	S78203	6565	Hs.182575
C	BT		"溶質キャリアファ
ミリー15(H+/ペプチドトランスポーター), メンバー2"			
242	2.41188	-0.559601	-0.490454
37181_at	X76538	4358	Hs.75659
C	BT		"MpV17トランスジ
ン, マウスホモログ,糸球体硬化症"			
243	3.24189	-1.07577	-0.893228
41034_s_at	U92315	6820	Hs.94581
C	BT		"スルホトランスフ
ェラーゼファミリー,サイトゾル, 2B, メンバー1"			
244	4.26263	-0.717124	-0.51743
355_s_at	D38037	2281	Hs.77643
C	BT	T	FK506 結合タンパク
質1B (12.6kD)			
244	4.26263	-0.717124	-0.51743
355_s_at	D38037	2281	Hs.77643
C	BT	T	FK506 結合タンパク
質1B (12.6kD)			
245	2.87468	-0.882833	-0.73454
510_g_at	U44378	4089	Hs.75862
C	BT		"MAD, decapentaple
gicホモログ 4に対する母体(Drosophila) (Drosophila)"			
246	2.78892	-0.378281	-0.265515
40342_at	U66077	1617	Hs.375010
C	BT		無精子症で欠失
247	2.57891	-0.546491	-0.448062
40298_at	AB014603	9914	Hs.6168
C	BT		KIAA0703遺伝子産
物			
248	2.72032	-1.15089	-0.718735
37021_at	X16832	1512	Hs.288181
C	BT		カテプシンH
249	2.77417	-0.873052	-0.530632
31760_at	W27203		
C	BT		

250	2.63634	-0.664241	-0.341908
31439_f_at	X63095	6006	Hs.2789
94	C	BT	"Rhesus血液型,
CcEe抗原s"			
251	2.6274	-0.683934	-0.357405
38853_at	X81892	10149	Hs.184942
C	BT		Gタンパク質結合型
レセプター64			
252	2.90914	-0.837893	-0.559906
39027_at	AF017115	1327	Hs.3479
69	C	BT	シトクロムc オ
キシダーゼサブユニット IV アイソフォーム 1			
253	3.14197	-0.772206	-0.451554
34758_at	U23028	8893	Hs.2437
C	BT	T	"真核生物翻訳開始
因子2B,サブユニット5 (ε, 82kD)"			
254	2.60795	-0.690568	-0.396572
39210_at	M58597	2526	Hs.2173
C	BT		"フコシルトランスフ
ェラーゼ 4 (α(1,3) フコシルトランスフェラーゼ, 骨髄特異的)"			
255	4.26765	-0.773149	-0.972006
37125_f_at	J04813	1577	Hs.1041
17	C	BT	"シトクロムP450
, サブファミリーIIIA (ニフェジピン、オキシダーゼ), ポリペプチド 5"			
256	2.70856	-0.430151	-0.541017
502_s_at	U37431	3198	Hs.67397
C	BT		ホメオボックス A1
257	3.44391	-0.485862	-0.677579
36465_at	U51127	3663	Hs.334450
C	BT		インターフェロン
調節因子因子5			
258	2.62798	-0.530997	-0.686488
40732_at	D83243	4863	Hs.89385
C	BT		"核タンパク質, 運
動失調-毛細管拡張遺伝子座"			
259	2.82065	-0.439552	-0.58167
33036_at	Y10601	8989	Hs.137674
C	BT		膜貫通ドメインを
有するアンキリン様1			
260	2.49525	-0.343785	-0.47
2083_at	L10822	887	Hs.203
C	BT		コレシストキニン Bレセプタ
ー			
261	3.33577	-0.846567	-0.968239
33297_at	AL031778	4800	Hs.797
C	BT	T	"核転写因子, α "
262	2.49935	-0.670206	-0.725798
33370_r_at	U60205	6307	Hs.2399
26	C	BT	ステロール-C4-
メチルオキシダーゼ様			

263	4.37787	-0.898742	-0.998686
39249_at	AB001325	360	Hs.23464
2	C	BT	アクアポリン3
264	4.36973	-0.842122	-0.946391
37124_i_at	J04813	1577	Hs.1041
17	C	BT	"シトクロムP450
, サブファミリーIIIA(niphedipine オキシダーゼ), ポリペプチド 5"			
265	2.66154	-0.79323	-0.763293
36731_g_at	U66684	23455	
C	BT	"ATP-結合カセット, サブ	
ファミリーC(CFTR/MRP), メンバー10"			
266	2.51925	-0.546735	-0.573132
36420_at	AF038189	50618	Hs.166
184	C	BT	インターセクチ
ン 2			
267	2.52051	-0.409675	-0.415857
36854_s_at	M81886	2890	Hs.7117
C	BT	"グルタミン酸レセ	
プター, イオンチャネル型,AMPA 1"			
268	2.49287	-0.542001	-0.544274
32837_at	U56418	10555	Hs.20911
9	C	BT	"1-アシルグリセ
ロール-3-ホスフェート0-アシルトランスフェラーゼ 2 (リゾホスファチジル酸 アシル			
トランスフェラーゼ, β)"			
269	2.67888	-0.524646	-0.719469
621_at	M28211	5867	Hs.119007
C	BT	"RAB4, メンバーRAS	
オンコジーンファミリー"			
270	3.14993	-0.752066	-1.01311
33369_at	AI535653	6307	Hs.23992
6	C	BT	ステロール-C4-メ
チル オキシダーゼ様			
271	3.01117	-0.637136	-0.880008
31956_f_at	M17886	6176	Hs.1775
92	C	BT	"リボソームタン
パク質, ラージ, P1"			
272	3.46719	-0.480748	-0.7732
34410_at	U49260	4597	Hs.3828
C	BT	メバロン酸 (ジホスホ)	
脱炭酸酵素			
273	4.0226	-0.930702	-1.30913
37002_at	D32143	645	Hs.76289
C	BT	ビリベルジン レダクタ	
ーゼ B (フラビンレダクターゼ(NADPH))			
274	3.14828	-0.40535	-0.684089
36883_at	X14640	3860	Hs.74070
C	BT	ケラチン 13	
275	2.64325	-0.536702	-0.7862
32852_at	U78678	25828	Hs.211929
C	BT	"チオレドキシン,	

ミトコンドリア"					
276	3.967	-0.717665	-1.11253		
	38425_at	U49719			C
	BT				
277	2.73787	-0.636397	-0.919637		
	36788_at	U66033	2262	Hs.76828	
	C	BT		グリピカン 5	
278	3.6068	-0.559693	-0.939662		
	41435_at	AB014554	8541	Hs.10929	
9	C	BT		"タンパク質チロ	
シンホスファターゼ, レセプター型, f ポリペプチド (PTPRF), 相互作用タンパク質(リプ					
リン), α 3"					
279	3.29404	-0.49581	-0.839781		
	37935_at	AF016369	9128	Hs.37497	
3	C	BT		PRP4/STK/WD スプ	
ライシング因子					
280	5.32659	-0.97759	-1.63567		
	35834_at	X59766	563	Hs.71	
	C	BT		" α -2-糖タンパク質1, 亜	
鉛"					
281	3.5422	-0.549443	-1.13259		
	33878_at	W27472	80303	Hs.24391	
	C	BT		仮想タンパク質FLJ13	
612					
282	3.73876	-0.796096	-1.34903		
	37572_at	AW043690	885	Hs.80247	
	C	BT		コレシストキニン	
283	3.09026	-0.564034	-1.03674		
	36985_at	X17025	3422	Hs.76038	
	C	BT		イソペンテニル-ジホ	
スフェート δ イソメラーゼ					
284	2.90221	-0.597436	-1.04885		
	36592_at	S85655	5245	Hs.75323	
	C	BT		禁止	
285	4.67678	-0.605915	-1.3055		
	34367_at	AF006043	26227	Hs.3343	
	C	BT		ホスホグリセリン酸	
デヒドロゲナーゼ					
286	2.4856	-0.482102	-0.872455		
	34848_at	X69141	2222	Hs.48876	
	C	BT		ファルネシル-ジホス	
フェート ファルネシルトランスフェラーゼ 1					
287	2.57192	0.634893	-1.52361		
	33062_at	AL096729			
	C	BT			
288	2.64871	0.667141	-1.52425		
	37266_at	U69645	7580	Hs.78765	
	C	BT		ジンクフィンガータン	
パク質32(KOX 30)					
289	2.51227	0.514689	-1.69928		

	37582_at	X07696	3866	Hs.80342
	C	BT		ケラチン 15
290	2.94348		0.775234	-1.68876
	34362_at	M55531	6518	Hs.33084
	C	BT		"溶質キャリアファミ
	リー2 (促進性グルコース/フルクトーストランスポーター),メンバー5"			
291	2.75632		0.693904	-1.6832
	1389_at	J03779	4311	Hs.1298
	C	BT	C	"膜 メタロエンドペプチ
	ダーゼ (中性エンドペプチダーゼ,エンケファリナーゼ, CALLA, CD10)"			
292	3.80541		0.874071	-2.48081
	38394_at	D42047	23171	Hs.82432
	C	BT		KIAA0089タンパク質
293	2.45391		0.631096	-1.46421
	41467_at	AF070071	4439	Hs.375223
	C	BT		mutSホモログ 5 (E
	. coli)			
294	2.4295		0.530138	-1.6486
	31638_at	AC005329	2593	Hs.81131
	C	BT		グアニジノ酢酸 N-メ
	チルトランスフェラーゼ			
295	3.58231		1.03602	-2.28672
	37940_f_at	AA806768		
	C	BT		
296	2.8952		0.786602	-1.92424
	33205_at	AF064804	8464	Hs.355835
	C	BT		Ty 3ホモログのサブ
	レッサ (S.cerevisiae)			
297	2.61401		0.553092	-2.10176
	41505_r_at	AF055376	4094	Hs.3025
0	C	BT		v-maf 筋腱膜線維
	肉腫オンコジーンホモログ (トリ)			
298	2.73974		0.732024	-1.928
	41328_s_at	AL096717	24139	Hs.24178
	C	BT		微小管関連タンパ
	ク質様棘皮動物EMAP			
299	2.54173		0.632179	-1.95455
	870_f_at	M93311	4504	Hs.73133
	C	BT		メタロチオネイン 3 (
	成長抑制因子(神経栄養性))			
300	3.67358		1.18275	-2.17915
	36772_at	S62027	2792	Hs.73112
	C	BT		"グアニンヌクレオチド
	結合タンパク質(Gタンパク質), γ トランスデュースン活性ポリペプチド 1"			
301	2.74528		0.644439	-2.19209
	38615_at	AF097021	10562	Hs.27332
1	C	BT		造血系統で差動的
	に発現される			
302	2.6543		0.842681	-1.58133
	41747_s_at	U49020	4205	Hs.182280

	C	BT		"MADSボックス 転写
	エンハンサー因子2, ポリペプチド A (筋細胞エンハンサー因子2A)"			
303	2.53396	0.762613		-1.61827
	34137_at	AL035542	26529	Hs.24786
2	C	BT		"嗅覚レセプター,
	ファミリー 12, サブファミリーD, メンバー2"			
304	2.66367	0.776332		-1.4654
	35397_at	AF006259	10635	Hs.24596
	C	BT		RAD51相互作用タン
	パク質			
305	2.44019	0.618072		-1.60804
	36630_at	Z50781	1831	Hs.75450
	C	BT		"δ 睡眠誘導タンパク
	質, 免疫反応体"			
306	2.64759	0.620712		-1.93432
	38030_at	AB002330	23350	Hs.7976
	C	BT		KIAA0332タンパク質
307	2.86454	0.824435		-1.7116
	33843_g_at	AC004472	2189	Hs.8047
	C	BT		"Fanconi貧血, 相補
	群 G"			
308	2.76223	0.726817		-1.80051
	34024_at	X91906	1184	Hs.89872
	C	BT		"クロライドチャネル
	5 (腎結石症 2, X-結合, Dent病)"			
309	2.8437	0.801698		-1.74559
	36268_at	U90322	2846	Hs.27812
	C	BT		Gタンパク質結合型レセ
	プター23			
310	2.71984	0.753203		-1.69711
	32427_at	U66583	1421	Hs.72911
	C	BT		"クリスタリン, γ D"
311	2.60448	0.910646		-1.19915
	37212_at	D28588	6668	Hs.77031
	C	BT		Sp2 転写因子
312	2.67594	0.28496		-1.79746
	37240_at	U18937	23438	Hs.278507
	C	BT		ヒスチジル-tRNAシン
	テターゼ様			
313	2.66481	0.226892		-1.85467
	35207_at	X76180	6337	Hs.2794
	C	BT		"ナトリウムチャネル,
	非電位型1α"			
314	2.44759	0.554885		-1.43141
	35876_s_at	AI128825	8879	Hs.1866
13	C	BT		スフィンゴシン-
	1-ホスフェート リアーゼ 1			
315	3.64933	0.699615		-2.32397
	34404_at	W28167	50813	Hs.3758
	C	BT		"COP9 (構成的光形態

形成, Arabidopsis, ホモログ) サブユニット 7A"

316	2.68355	0.725613	-1.26663	
40986_s_at	AA058852	27229	Hs.206	
21	C	BT	γ チューブリン	
環複合体タンパク質(76p遺伝子)				
317	2.54808	0.35248	-1.8867	
39594_f_at	R93527	4496	Hs.2667	
C	BT		メタロチオネイン 1H	
318	2.75262	0.387165	-1.90817	
32736_at	W68830	28963	Hs.367740	
C	BT		HSPC022タンパク質	
319	2.53483	0.429131	-1.61293	
31494_at	D25272			
C	BT			
320	2.51891	0.409755	-1.6664	
34707_at	U91543	1107	Hs.25601	
C	BT		染色領域ヘリカーゼDNA	
結合タンパク質3				
321	2.43536	0.462258	-1.47531	
38795_s_at	X56687	7343	Hs.89781	
C	BT		"上流結合転写因子,	
RNA ポリメラーゼI"				
322	2.8712	0.623795	-1.50906	
40981_at	U00930	57680	Hs.173421	
C	BT		KIAA1564タンパク質	
323	3.32164	0.607616	-1.93309	
819_at	U76456	7079	Hs.190787	
C	BT		メタロプロテイナーゼ	
4の組織インヒビター				
324	2.86661	0.62135	-1.46277	
36219_at	AF064093	10613	Hs.285818	
C	BT		Caenorhabditis e	
legansタンパク質C42C1.9と類似				
325	4.21088	0.308301	-2.3082	
32527_at	AI381790	10974	Hs.74120	
C	BT		脂肪特異的 2	
326	2.43231	0.232255	-1.24006	
38023_at	D30036	5306	Hs.79709	
C	BT		ホスファチジルイノシ	
トール転移タンパク質				
327	2.91685	0.351522	-1.28304	
40679_at	U27699	6539	Hs.82535	
C	BT		"溶質キャリアファミ	
リー6 (神経伝達物質トランスポーター, ベタイン/GABA), メンバー12"				
328	2.4344	0.279378	-1.1053	
830_at	U25801	10883	Hs.287365	
C	BT		Tax1 (ヒト T細胞白血	
病ウイルスI型) 結合タンパク質1				
329	3.06004	0.444133	-1.28114	
35861_at	AA018440			

C	BT			
330	2.79572	0.293879	-1.32862	
34373_at	Z97054	10075	Hs.3383	
C	BT		上流 調節因子エレメ	
ント結合タンパク質1				
331	2.50642	0.060638	-1.53925	
35303_at	U96876	3638	Hs.56205	
C	BT		インスリン誘導性遺伝	
子 1				
332	2.4309	0.242839	-1.18387	
979_g_at	Z79581			C
BT				
333	4.12901	0.291086	-2.00934	
999_at	X59812	1593	Hs.82568	
C	BT		"シトクロムP450, サブ	
ファミリーXXVIIIA(ステロイド 27-ヒドロキシラーゼ, 脳腱黄色腫症), ポリペプチド 1"				
334	2.94178	0.357111	-1.20008	
37835_at	M28827	911	Hs.1311	
C	BT		"CD1C抗原, c ポリペプ	
チド"				
335	2.50523	0.209563	-1.17646	
40954_at	H94881	486	Hs.19520	
C	BT		FXVDドメイン含有イオ	
ン輸送調節因子 2				
336	2.41642	0.181407	-1.16828	
40902_at	AL050082	11059	Hs.32427	
5	C	BT	WWドメイン含有タ	
ンパク質 1				
337	2.45573	0.096227	-1.37423	
39437_at	Z78324	84364	Hs.256310	
C	BT		"ジンクフィンガー	
タンパク質289, ID1 調節"				
338	2.41124	0.201561	-1.17263	
40110_at	U49283	3420	Hs.155410	
C	BT		イソクエン酸デヒド	
ロゲナーゼ 3(NAD+) β				
339	2.7938	0.464213	-0.968977	
32120_at	AF063308	10615	Hs.16244	
C	BT		紡錘体 コイルドコ	
イル関連タンパク質				
340	3.28086	0.06958	-1.89891	
36563_at	AF038190	57183	Hs.6421	
C	BT		仮想タンパク質DKFZp	
761N09121				
341	3.19953	0.0944022	-1.81077	
33323_r_at	X57348	2810	Hs.18451	
0	C	BT	ストラチフィン	
342	3.03544	0.301987	-1.2602	
40883_at	W28230			C
BT				

343	2.50517	0.135757	-1.26472
38108_at	AF020543	9374	Hs.81737
C	BT		パルミトイル-タン
パク質 チオエステラーゼ 2			
344	3.24776	0.160609	-1.64283
32464_at	AF071216	1673	Hs.105924
C	BT		"デフェンシン, β
2"			
345	2.44411	0.172152	-1.15279
37095_r_at	M84562	2358	Hs.99855
C	BT		ホルミルペプチドレ
セプター様 1			
346	3.75685	0.279913	-2.54424
40409_at	U46689	224	Hs.159608
C	BT		"アルデヒドデヒドロ
ゲナーゼ3ファミリー, メンバーA2"			
347	4.00351	0.567101	-2.07924
36256_at	U41901	4045	Hs.26479
C	BT		辺縁系関連膜タンパク
質			
348	2.8631	0.46868	-1.38223
35901_at	AF104260	9271	Hs.194712
C	BT		piwi様1 (Drosophil
a)			
349	4.49177	0.677745	-2.34586
34109_at	AF010310	9539	
C	BT		プロリンオキシダーゼホモロ
グ			
350	3.03516	0.401421	-1.66909
38246_r_at	AI097085		
C	BT		
351	3.40909	0.444553	-1.72931
41066_at	AF071219	4246	Hs.97644
C	BT		γ グロブリン 2
352	2.80353	0.514486	-1.1876
31318_at	S80491		C
BT			
353	2.94651	0.395856	-1.51312
1283_at	Z25428		C
BT			
354	2.48953	0.241846	-1.44582
34357_g_at	U52960	9412	Hs.286145
C	BT	C	SRB7 RNA ポリメ
ラーゼ Bホモログのサプレッサ (酵母)			
355	2.54101	0.362	-1.16534
34587_at	X14346	8288	Hs.46295
C	BT		好酸球 ペルオキシダーゼ
356	2.45363	0.186117	-1.39308
33650_at	W25911	55661	Hs.65234
C	BT		仮想タンパク質FLJ20

596					
357	2.88983	0.22794	-1.69705		
	37204_at	X67055	3699	Hs.76716	
	C	BT		"pre- α (globulin) イ	
	ンヒビター, H3ポリペプチド"				
358	2.89336	0.118874	-1.86403		
	33322_i_at	X57348	2810	Hs.184510	
	C	BT		ストラチフィン	
359	2.45077	0.239189	-1.35017		
	37164_at	X63097	6007	Hs.283822	
	C	BT		"Rhesus血液型, D抗	
	原"				
360	3.62891	0.218557	-1.65172		
	32536_at	Z37986	10682	Hs.75105	
	C	BT		emopamil 結合タンパ	
	ク質(ステロール イソメラーゼ)				
361	2.87929	0.328003	-1.03228		
	35218_at	AF022385	11235	Hs.28866	
	C	BT		programmed cell d	
	eath 10				
362	3.20701	0.0655186	-1.40907		
	33331_at	U17077	7851	Hs.185055	
	C	BT		BENEタンパク質	
363	2.92384	0.153585	-1.26866		
	33276_at	AC000062	10129	Hs.18130	
4	C	BT	C	仮想タンパク質C	
G003					
364	3.50284	0.0647915	-1.6072		
	31957_r_at	M17886	6176	Hs.177592	
	C	BT		"リボソームタンパ	
	ク質, large, P1"				
365	2.49037	-0.133998	-1.41221		
	31622_f_at	M10943	4494		
	C	BT		メタロチオネイン 1F (func	
	tional)				
366	2.50134	0.174347	-0.975003		
	36412_s_at	U53831	3665	Hs.16612	
0	C	BT		インターフェロン	
	調節因子因子7				
367	3.06795	0.320499	-1.04645		
	36462_at	U50383	10322	Hs.54413	
	C	BT		レチノイン酸 induce	
	d 15				
368	2.5158	0.192238	-0.963678		
	33621_at	X71348	6928	Hs.169853	
	C	BT		"転写因子2, 肝臓; L	
	F-B3; 改変体肝臓核因子"				
369	3.13332	-0.0528816	-1.3023		
	38673_s_at	D64137	1028	Hs.10607	
0	C	BT		"サイクリン依存	

性キナーゼインヒビター 1C (p57, Kip2)"

370	2.88299	-0.0986855	-1.24305
33022_at	AF057034	8608	Hs.1349
58	C	BT	ミクロソーム NA
D+依存性 retinolデヒドロゲナーゼ4			
371	2.61261	0.0842721	-0.881669
33636_at	U87459	1485	Hs.167379
C	BT		cancer/testis抗原
372	2.60467	0.175906	-0.797945
36891_at	AL022237	638	Hs.155419
C	BT		BCL2相互作用 kill
er (アポトーシス-inducing)			
373	3.01959	0.0818503	-1.11646
1747_at	AD000092	811	Hs.16488
C	BT		カルレチキュリン
374	2.87092	-0.240552	-1.51087
33389_at	U23942	1595	Hs.226213
C	BT		"シトクロムP450, 5
1 (lanoステロール14- α -deメチルase)"			
375	3.08462	0.102779	-1.17645
33509_at	L76627	2911	Hs.32945
C	BT		"グルタミン酸レセプ
ター,metabotropic 1"			
376	2.58921	-0.0162383	-1.1336
32054_at	AF048732	905	Hs.155478
C	BT		サイクリン T2
377	3.64924	-0.208851	-1.81577
35991_at	AA917945	11157	Hs.4243
8	C	BT	Smタンパク質 F
378	3.19747	0.0382199	-1.28584
33949_at	AF011406	1395	Hs.66578
C	BT		コルチコトロピン
放出ホルモンレセプター2			
379	2.72291	-0.00932996	-0.95305
34101_at	W27615		
C	BT		
380	2.55424	-0.120602	-1.05215
40234_at	X96484	8214	Hs.336664
C	BT		DiGeorge症候群 棄
却域遺伝子 6			
381	4.73558	-0.400104	-2.00306
33767_at	X15306	4744	Hs.198760
C	BT		"neurofilament, 重
ポリペプチド(200kD)"			
382	3.63933	-0.370526	-1.65866
39248_at	N74607	360	Hs.234642
C	BT		アクアポリン3
383	-1.12453	3.27659	-2.12274
32074_at	D42045	9937	Hs.1560
C	S		DNA-crosslink repair遺

伝子 SNM1

384	-1.21102	2.67663	-2.09327
38437_at	X80199	22794	Hs.83422
C	S		MLN51タンパク質
385	-1.32679	2.7799	-2.26474
37297_at	AL049422	84549	Hs.77135
C	S		RNA結合タンパク質
386	-1.02516	3.03317	-1.95539
35254_at	AB007447	10906	Hs.5148
C	S		FLN29遺伝子産物
387	-1.58886	3.80892	-2.82673
36889_at	M33195	2207	Hs.743
C	S		"IgEのFcフラグメント,
高親和性 I, レセプター for; γ ポリペプチド"			
388	-1.15354	3.25839	-2.16513
AFFX-HSAC07/X00351_5_st	X00351	60	
Hs.288061 C	S		"アクチン, β"
389	-0.867014	2.97447	-1.77121
532_at	U17418	5745	Hs.1019
C	S	C	para甲状腺ホルモンレセ
プター 1			
390	-0.887299	2.89557	-1.78127
401_s_at	X68985	3131	Hs.250692
C	S	C	肝臓 白血病 factor
391	-0.825957	2.4658	-1.5946
37657_at	Y16270	5064	Hs.78482
C	S		paralemmmin
392	-0.944002	2.80421	-1.81598
40512_at	X51408	1123	Hs.22660
C	S		chimerin (chimaerin)
1			
393	-1.01131	2.76008	-1.88715
33869_at	AL080218		
C	S		
394	-1.27655	4.10175	-2.44019
38881_i_at	AF096870	10626	Hs.241
305	C	S	3部のモチーフ含
有16			
395	-0.863581	2.9775	-1.69573
38600_r_at	AB002449		
C	S		
396	-1.3343	3.13944	-2.29127
37196_at	X79981	1003	Hs.76206
C	S		"カドヘリン 5, 型 2, VE
-カドヘリン(vascular 上皮)"			
397	-1.2681	2.86625	-2.15874
40936_at	AI651806	51232	Hs.19280
C	S	C	システインリッチ m
otor neuron 1			
398	-1.05444	2.61523	-1.84284

39432_at	AF038662	8702	Hs.13225
C	S		"UDP-Gal: β GlcNAc
β 1,4- ガラクトシルトランスフェラーゼ, ポリペプチド 4"			
399	-1.74948	5.17168	-3.26328
222_at	S79639	2131	Hs.184161
C	S	C	exostoses (multiple)
1			
400	-1.7294	4.37416	-3.0665
1897_at	L07594	7049	Hs.342874
C	S		"形質転換成長因子, β レ
セプターIII (β glycan, 300kD)"			
401	-1.44461	3.69514	-2.57986
35271_at	AF006083	10096	Hs.5321
C	S		ARP3 アクチン関連タ
ンパク質 3ホモログ(酵母)			
402	-0.729392	2.47926	-1.44372
35381_at	AL080127	8771	Hs.34818
C	S		"腫瘍壊死因子レセ
プタースーパーファミリー, メンバー6b, decoy"			
403	-0.760231	2.40752	-1.464
245_at	M25280	6402	Hs.82848
C	S		セレクチン L (リンパ球ad
hesion molecule1)			
404	-1.30195	4.39853	-2.50731
41592_at	AB000734	8651	Hs.50640
C	S		JAK結合タンパク質
405	-1.75376	4.08605	-2.97963
38632_at	AF088982	25822	Hs.23750
C	S		"DnaJ (Hsp40) ホモ
ログ, サブファミリーB, メンバー5"			
406	-1.40821	3.79157	-2.5027
32812_at	AB029025	22998	Hs.202949
C	S		KIAA1102タンパク質
407	-1.13389	3.7393	-2.13837
41474_at	Y08319	3796	Hs.113319
C	S		キネシンheavy chain
メンバー2			
408	-1.52941	3.86201	-2.63314
38787_at	X63131	5371	Hs.89633
C	S		promyelocytic 白血病
409	-1.63997	3.12748	-2.61139
1717_s_at	U45878	330	Hs.127799
C	S		baculoviral IAP repe
at含有3			
410	-0.780381	2.72768	-1.728
747_at	D63134		C
S			
411	-1.64347	4.2302	-3.21588
176_at	U37352	5527	Hs.171734
C	S	C	"プロテインホスファタ

ーゼ2, 調節サブユニットB(B56), γ アイソフォーム"

412	-1.40158	4.0795	-2.86313
32593_at	D42043	23180	Hs.79123
C	S		KIAA0084タンパク質
413	-1.38614	3.49835	-2.69084
38374_at	AF050110	7071	Hs.82173
C	S		TGFB inducible 初期
成長応答			
414	-1.18319	3.65617	-2.45397
1257_s_at	L42379	5768	Hs.77266
C	S	C	quiescin Q6
415	-1.59237	3.64422	-2.93236
32227_at	X17042	5552	Hs.1908
C	S	C	"proteoglycan 1, secr
etorygranule"			
416	-1.76293	5.11744	-3.54157
40607_at	U97105	1808	Hs.173381
C	S	C	ジヒドロピリミジナ
ーゼ様 2			
417	-1.40782	4.15961	-2.85362
38433_at	M76125	558	Hs.83341
C	S		AXLレセプターチロシン
キナーゼ			
418	-0.82782	2.58356	-1.71237
40296_at	AL023653	7512	Hs.57922
C	S		"X-prolyl aminopept
idase (aminopeptidaseP) 2, membrane-bound"			
419	-1.22964	3.59833	-2.38333
38706_at	AA552140	1874	Hs.108371
C	S		"E2F 転写因子4, p1
07/p130-binding"			
420	-0.959406	2.70277	-1.84838
40597_g_at	U76366	6949	Hs.30126
C	S		Treacher Collins-
Franceschetti症候群1			
421	-0.844122	2.64101	-1.68443
35220_at	L12468	2028	Hs.291
C	S		glutamyl aminopeptidas
e(aminopeptidase A)			
422	-1.02683	3.54362	-2.17226
32650_at	Z78388	29114	Hs.169330
C	S		neuronalタンパク質
423	-1.34329	3.2038	-2.48119
37565_at	X85750	23531	Hs.79889
C	S		単球to マクロファージ
differentiation関連			
424	-1.23644	3.42591	-2.41018
41594_at	M64174	3716	Hs.50651
C	S	C	Janusキナーゼ 1 (aタ
ンパク質 チロシンキナーゼ)			

425		-1.01484	2.86201		-1.99569
	39616_at	AL050227			
	C	S			
426		-1.01742	2.85848		-1.99691
	34333_at	AL021707	9929		Hs.3094
	C	S			KIAA0063遺伝子産物
427		-1.12729	3.24107		-2.19717
	1012_at	U57317	8850		Hs.199061
	C	S			p300/CBP関連 factor
428		-1.28318	3.28463		-2.41881
	32363_at	AF059214	9023		Hs.194687
	C	S			choleステロール 25
	-ヒドロキシラーゼ				
429		-0.613483	2.59437		-1.40623
	41005_at	L36531	8516		Hs.91296
	C	S			"インテグリン, α 8"
430		-0.997581	2.4602		-1.85316
	37463_r_at	L21990	8175		Hs.115232
	C	S			"スプライシング因
	子 3a, サブユニット2, 66kD"				
431		-0.621832	2.44606		-1.5534
	32463_at	AF022212	395		Hs.250830
	C	S			RhoGTPase活性化タ
	ンパク質6				
432		-1.25231	3.38364		-2.60845
	35212_at	AF064801	11236		Hs.28285
	C	S			patched relatedタ
	ンパク質translocated in renal cancer				
433		-1.33196	4.0787		-2.95122
	38722_at	X15880	1291		Hs.108885
	C	S			"コラーゲン, 型VI, α
	1"				
434		-0.716699	2.81395		-1.75952
	36429_at	Y13583	11318		Hs.16743
	C	S			adrenomedullinレセ
	プター				
435		-0.791289	2.82755		-1.86724
	34412_s_at	U59632	5413		Hs.3847
	C	S			peanut様 1 (Drosoph
	ila)				
436		-1.03103	2.63709		-2.12104
	32669_at	AB014571	9655		Hs.169836
	C	S	C		KIAA0671遺伝子産
	物				
437		-1.54589	5.09134		-3.43256
	671_at	J03040	6678		Hs.111779
	C	S	C		"secretedタンパク質,
	酸性, システインリッチ(osteonectin)"				
438		-1.48262	4.30406		-3.14959
	37279_at	U10550	2669		Hs.79022

	C	S	C	GTP 結合タンパク質ov
erexpressed in 骨格筋				
439	-0.628478		2.78152	-1.61123
	41452_at	AB023232		23660 Hs.1108
39	C	S		ジンクフィンガー
タンパク質95ホモログ(マウス)				
440	-1.10874		4.00189	-2.5098
	36821_at	AL050367		
C	S			
441	-1.31672		4.36992	-2.87019
	41270_at	AA019936		10609 Hs.20725
1	C	S		核小体 自己抗原(5
5kD) similar torat synaptonemal複合体タンパク質				
442	-0.939278		2.73432	-1.94419
	31321_at	U41737		23496
C	S			pancreatic β cell 成長因子
443	-0.594166		2.50681	-1.45486
	35632_at	U26710		868 Hs.3144
C	S			Cas-Br-M (murine) ectr
opic retroviraltransforming sequence b				
444	-0.991362		3.36262	-2.2008
	38544_at	M13981		3623 Hs.1734
C	S			"インヒビン, α "
445	-0.867175		3.1742	-1.99005
	34247_at	AI810767		8492 Hs.22404
C	S			"プロテアーゼ, セリ
ン, 12(neurotrypsin, motオプシン)"				
446	-0.721756		2.42416	-1.60228
	34340_at	AA173896		80777 Hs.7910
3	C	S		シトクロムb5 ミト
コンドリア外膜 前駆体				
447	-1.17294		3.42299	-2.45797
	37221_at	M31158		5577 Hs.77439
C	S		C	"プロテインキナーゼ,
cAMP依存性, 調節因子,I型I, β "				
448	-0.643331		2.42745	-1.50128
	31471_at	AL031393		
C	S			
449	-0.836495		3.05327	-1.93212
	40843_at	AF012023		9270 Hs.17327
4	C	S		インテグリン 細胞
質ドメイン関連タンパク質 1				
450	-1.33253		3.71588	-2.74946
	41000_at	U68723		1112 Hs.211773
C	S			チェックポイント supp
ressor 1				
451	-0.82338		2.77621	-1.83481
	1000_at	X60188		5595 Hs.861
C	S		C	マイトジェン活性化プロ
テインキナーゼ3				

452		-1.3354	3.22903	-1.91446
	38510_at	AL049435		
	C	S		
453		-1.5091	2.97644	-2.0775
	40230_at	U91903	2487	Hs.153684
	C	S		frizzled関連タンパク質
454		-1.61171	2.87547	-2.16802
	38378_at	M37033	963	Hs.82212
	C	S		CD53抗原
455		-1.2756	2.56615	-1.75319
	31980_at	Y11739	8456	Hs.198313
	C	S		winged-helixnude
456		-1.99953	3.57425	-2.68241
	38797_at	D31887	23516	Hs.89868
	C	S		KIAA0062タンパク質
457		-1.91816	3.50844	-2.586
	32805_at	U05861	1645	Hs.306098
	C	S		"アルド-ケトレダクター
	ゼファミリー 1,メンバーC1 (dihydrodiolデヒドロゲナーゼ 1; 20- α (3- α)-ヒドロキシステロイドデヒドロゲナーゼ)"			
458		-1.251	2.67641	-1.69992
	39920_r_at	AF095154	10882	Hs.13401
2	C	S		Clq関連factor
459		-1.32967	2.64369	-1.79427
	32239_at	U69263	4147	Hs.19368
	C	S		matrilin2
460		-1.27945	2.96801	-1.7832
	430_at	X00737	4860	Hs.75514
	C	S		ヌクレオシド phosphoryla
se				
461		-0.974685	2.55936	-1.39434
	1639_s_at	U15642	1875	Hs.2331
	C	S		"E2F 転写因子5, p130
	-binding"			
462		-1.53969	3.07546	-2.14599
	41438_at	AL049923	57601	
	C	S		KIAA1451タンパク質
463		-1.14594	2.88841	-1.67555
	31373_at	W28249		
	C	S		
464		-1.52733	3.16668	-2.16151
	35789_at	AB028965	22906	Hs.6705
	C	S		KIAA1042タンパク質
465		-1.44207	3.03304	-2.03535
	38037_at	M60278	1839	Hs.799
	C	S		diphtheria toxinレセプ
	ター(ヘパリン結合表皮成長因子様成長因子)			
466		-2.01534	4.15738	-2.84257
	35168_f_at	M92642	1307	Hs.26208
	C	S		"コラーゲン, XVI型,

α 1"					
467	-1.22357	2.65761	-1.74101		
38112_g_at	X15998	1462	Hs.81800		
C	S		コンドロイチン硫酸		
プロテオグリカン2 (versican)					
468	-1.60618	2.5891	-2.19823		
2031_s_at	U03106	1026	Hs.179665		
C	S		"サイクリン依存性キ		
ナーゼインヒビター1A (p21, Cip1)"					
469	-1.28396	2.5341	-1.8176		
556_s_at	M96233	2948	Hs.348387		
C	S		グルタチオン S-トラン		
スフェラーゼ M4					
470	-1.49039	3.38774	-2.16823		
33901_at	U81375	2030	Hs.25450		
C	S		"溶質キャリアファミリ		
ー29 (ヌクレオシドトランスポーター), メンバー1"					
471	-0.920247	2.46906	-1.39044		
1262_s_at	M19154	7042	Hs.169300		
C	S	C	"形質転換成長因子		
, β 2"					
472	-1.3555	2.7864	-1.96521		
1083_s_at	M35093	4582	Hs.89603		
C	S		"ムチン 1, 膜貫通"		
473	-1.45222	3.31191	-2.1618		
40099_at	AB014551	9181	Hs.337774		
C	S		rho/rac グアニンヌ		
クレオチド交換因子(GEF) 2					
474	-1.25533	3.23509	-1.92211		
35670_at	M37457	478	Hs.274371		
C	S		"ATPase, Na ⁺ /K ⁺ 輸送,		
α 3 ポリペプチド"					
475	-1.42727	3.45988	-2.14108		
40781_at	U79271	10806	Hs.300642		
C	S		血清学的に規定され		
た結腸癌高原 8					
476	-1.68665	3.03974	-2.37124		
31865_at	AB028069	10926	Hs.15275		
C	S		S期キナーゼの活性		
化因子					
477	-0.798143	2.67405	-1.30277		
230_s_at	M54914	2488	Hs.36975		
C	S		"小胞刺激ホルモン,		
β ポリペプチド"					
478	-1.93792	4.65331	-2.8846		
1319_at	X74764	4921	Hs.71891		
C	S	C	"ジスコイジンドメイン		
レセプターファミリー, メンバー2"					
479	-1.18498	3.01458	-1.78332		
32870_g_at	AF073362	4361	Hs.2055		

5	C	S		MRE11 meiotic recombination 11ホモログA (S. cerevisiae)
480	-0.906834	2.83887	-1.48464	
	1435_f_at	V00540	3452	Hs.113211
	C	S		"インターフェロン,
				α 21"
481	-1.54186	3.29144	-2.28932	
	115_at	X14787	7057	Hs.87409
	C	S	C	トロンボスポンジン 1
481	-1.54186	3.29144	-2.28932	
	115_at	X14787	7057	Hs.87409
	C	S	T	トロンボスポンジン 1
482	-1.36473	2.84571	-2.01689	
	649_s_at	L06797	7852	Hs.89414
	C	S		"ケモカイン(C-X-Cモチーフ), レセプター4 (融合)"
483	-1.59602	3.67097	-2.4374	
	31484_at	X72882	23378	Hs.5158
	C	S		KIAA0409タンパク質
484	-1.45577	3.08238	-2.17029	
	36179_at	U12779	9261	Hs.75074
	C	S		マイトジェン活性化プロテインキナーゼ-活性化プロテインキナーゼ2
485	-1.63464	3.09572	-2.43401	
	37951_at	AF035119	10395	Hs.8700
	C	S		肝臓癌で削除 1
486	-1.23462	3.68411	-2.0622	
	41391_at	AB000466		
	C	S		
487	-1.53808	2.69972	-2.24816	
	1461_at	M69043	4792	Hs.81328
	C	S		"核因子of kappa 軽ポリ
				ペプチド遺伝子エンハンサー in B細胞sインヒビター, α "
488	-2.21685	4.92944	-3.39638	
	39593_at	AI432401		
	C	S		
489	-1.73348	4.12234	-2.70276	
	36659_at	X05610	1284	Hs.75617
	C	S		"コラーゲン, IV型, α
				2"
490	-1.21242	2.84665	-1.88487	
	37061_at	U29615	1118	Hs.91093
	C	S		キチナーゼ 1 (キト
				リオシダーゼ)
491	-1.807	4.91624	-2.90498	
	1495_at	M34057	4052	Hs.241257
	C	S	C	潜在性形質転換成長因子
				β 結合タンパク質1
492	-1.43975	3.42311	-2.2301	
	36010_at	U10492	4222	Hs.438

	C	S		間葉	ホメオボックス 1
493		-1.18839	2.89375		-1.84983
	37378_r_at		M13452	4000	Hs.77886
	C	S			lamin A/C
494		-1.22769	2.67132		-1.92189
	35731_at		X16983	3676	Hs.40034
	C	S			"インテグリン, α 4 (a
	ntigen CD49D, α 4サブユニット of VLA-4レセプター)"				
495		-0.855447	2.44889		-1.44828
	33588_at		Z32860		
	C	S			
496		-1.5408	3.20851		-2.39695
	33813_at		AI813532	7133	Hs.256278
	C	S			"腫瘍壊死因子レセプ
	タースーパーファミリー, メンバー1B"				
497		-1.41463	2.63615		-2.1453
	36638_at		X78947	1490	Hs.75511
	C	S			結合組織成長因子
498		-1.48096	3.23713		-2.30616
	190_at		U12767	8013	Hs.80561
	C	S			"核レセプターサブファミ
	リー4, 群A, メンバー3"				
499		-1.53968	3.19626		-2.36724
	38443_at		U79291	84990	Hs.83572
	C	S			仮想タンパク質MGC144
33					
500		-1.99366	4.33964		-3.0784
	37671_at		S78569	3910	Hs.78672
	C	S	C		"ラミニン, α 4"
501		-0.929825	2.45222		-1.51298
	36011_at		AF035531	8677	Hs.43812
	C	S			シンタキシン10
502		-1.50157	3.26847		-2.4302
	41433_at		M73255	7412	Hs.109225
	C	S	C		血管細胞接着分子 1
503		-1.27546	2.93367		-2.0883
	35681_r_at		AB011141	9839	Hs.34871
	C	S			ジンクフィンガー
	ホメオボックス1B				
504		-1.29546	4.17473		-2.29859
	32783_at		X82494	2199	Hs.198862
	C	S	C		フィブリン 2
505		-1.4821	3.3607		-2.37941
	32778_at		D26070	3708	Hs.198443
	C	S	C		"イノシトール 1,4,5-
	三リン酸レセプター, 1型"				
506		-0.990253	2.62805		-1.66046
	31403_at		U39905	6570	Hs.158322
	C	S			"溶質キャリアファミ
	リー18 (小胞状モノアミン), メンバー1"				

507	-1.21898	3.06697	-2.03602
41859_at	AB020316	10090	Hs.13401
5	C	S	C
ホトランスフェラーゼ			ウロニル 2-スル
508	-0.889727	2.51593	-1.52918
36362_at	X91220	6559	Hs.158462
C	S		"溶質キャリアファミ
リー12 (ナトリウム/塩素イオントランスポーター), メンバー3"			
509	-1.28242	3.61994	-2.20678
837_s_at	U43944	4199	Hs.14732
C	S	C	"リンゴ酸酵素 1, NAD
P(+)-依存性, サイトゾル"			
510	-1.39493	2.42602	-2.11576
39764_at	Z22534	90	Hs.150402
C	S		"アクチビン Aレセプタ
ー, I型"			
511	-1.95445	3.8686	-2.20692
39493_at	W26679	29927	Hs.306079
C	S		タンパク質 輸送タンパ
ク質 SEC61 αサブユニットアイソフォーム1			
512	-1.95002	3.97756	-2.20786
40662_g_at	D78579	8013	Hs.80561
C	S		"核レセプターサブフ
ファミリー4, 群A, メンバー3"			
513	-1.70725	3.16674	-1.91987
40971_at	D86982	23294	Hs.20060
C	S	C	KIAA0229タンパク質
514	-1.83595	4.00826	-2.10403
34288_at	U67784	57007	Hs.23016
C	S	C	Gタンパク質結合レセ
プター			
515	-1.48841	2.69978	-1.67744
36771_at	X74328	1269	Hs.73037
C	S		カンナビノイドレセプ
ター2 (マクロファージ)			
516	-2.02077	3.63209	-2.23111
39038_at	AF093118	10516	Hs.11494
C	S		フィブリン 5
517	-1.74299	3.76329	-1.95855
32718_at	AF038009	8460	Hs.17279
C	S		チロシルタンパク質
スルホトランスフェラーゼ 1			
518	-1.32875	2.52592	-1.48542
31737_at	J00068	58	Hs.1288
C	S	C	"アクチン, α 1, 骨格筋"
519	-1.61725	2.66372	-1.8439
1192_at	AB003103	5718	Hs.4295
C	S		"プロテアソーム(プロソ
ーム, マクロペイン)26Sサブユニット, 非ATPase, 12"			
520	-1.69169	2.81992	-1.93499

38465_at	M37721	5066	Hs.83920
C	S	C	ペプチジルグリシン α
-アミド化マンノオキシゲナーゼ			
521	-1.54329	2.64501	-1.76998
35263_at	N73769	1979	Hs.278712
C	S	C	真核生物翻訳開始因
子4E 結合タンパク質2			
522	-1.28692	2.46803	-1.49054
231_at	M55153	7052	Hs.8265
C	S		"トランスグルタミナーゼ
2 (C ポリペプチド, タンパク質-グルタミン-γ グルタミルトランスフェラーゼ)"			
523	-1.22537	3.34595	-1.48771
488_at	U61166		C
S			
524	-1.74044	3.46648	-2.03383
1058_at	S69790	10810	Hs.82318
C	S		"WASタンパク質ファミ
リー, メンバー3"			
525	-1.87726	3.31059	-2.16613
32646_at	AB007918	23046	Hs.16918
C	S		KIAA0449タンパク
2			
質			
526	-1.39882	3.19875	-1.65608
31367_at	W27895	23093	Hs.131525
C	S		KIAA0998タンパク質
527	-1.69656	2.66879	-1.94122
41600_at	U59435	5036	Hs.374491
C	S		"増殖関連 2G4, 38kD"
528	-1.6853	3.09276	-1.99957
38653_at	D11428	5376	Hs.103724
C	S	C	末梢ミエリンタンパク
質 22			
529	-1.63626	2.46307	-1.90702
34891_at	AI540958	8655	Hs.5120
C	S		"ダイニン, 細胞質,
軽ポリペプチド"			
530	-1.56671	3.35157	-1.87264
1558_g_at	U24152	5058	Hs.62402
C	S	C	"p21/Cdc42/Rac1活性
化キナーゼ 1(STE20ホモログ, 酵母)"			
531	-0.91409	2.64392	-1.13799
40711_at	AL049340		
C	S		
532	-1.82886	2.92829	-2.29048
41789_r_at	AB014569	9819	Hs.5252
C	S		KIAA0669遺伝子産
6			
物			
533	-1.70884	2.67879	-2.14933
1052_s_at	M83667	1052	Hs.76722
C	S		"CCAAT/エンハンサー

結合タンパク質(C/EBP), δ "

534 -1.48028 2.84518 -1.90969
 1664_at M29645 3481 Hs.349109
 C S インスリン様成長因子2
 (ソマトメジンA)

535 -1.87826 3.04075 -2.36875
 38454_g_at X15606 3384 Hs.347326
 C S 細胞間接着分子 2

536 -1.83737 2.997 -2.31852
 38404_at M55153 7052 Hs.8265
 C S "トランスグルタミナーゼ
 2 (C ポリペプチド, タンパク質-グルタミン- γ グルタミルトランスフェラーゼ)"

537 -1.74105 3.91635 -2.3503
 38028_at AL050152 55885 Hs.301914
 C S ニューロン特異的転

写因子DAT1

538 -1.67398 3.09303 -2.19107
 973_at Y10032 6446 Hs.296323
 C S 血清/糖質コルチコイド

調節キナーゼ

539 -0.923129 2.46259 -1.29074
 35723_at D16581 4521 Hs.388
 C S nudix (ヌクレオシドジ

ホスフェート 結合部分 X)-型モチーフ 1

540 -1.82511 3.19624 -2.33822
 38772_at Y11307 3491 Hs.8867
 C S "システインリッチ, 血

管形成誘導因子, 61"

541 -1.54386 2.66495 -1.97831
 38353_at AF042378 10426 Hs.9884
 C S 紡錘体極 ボディー

タンパク質

542 -1.95398 4.18914 -2.59588
 38120_at U50928 5311 Hs.82001
 C S 多発性嚢胞腎 2 (常染

色体優性)

543 -1.53031 3.16873 -2.02109
 37219_at X72755 4283 Hs.77367
 C S γ インターフェロンに

よって誘導されるモノカイン

544 -1.85176 2.98473 -2.36174
 40202_at D31716 687 Hs.150557
 C S 基本的な転写エレメン

ト結合タンパク質1

545 -1.70424 2.58736 -2.15954
 34375_at M28225 6347 Hs.303649
 C S 小型 誘導性サイトカ

イン A2 (単球走化性タンパク質1)

546 -1.25978 2.5549 -1.66429
 40805_at AB007900 26037 Hs.172180

	C	S		KIAA0440タンパク質
547	-1.59173	2.80186		-1.97135
	40585_at	D25538	113	Hs.172199
	C	S		アデニル酸シクラーゼ7
548	-1.05483	2.9518		-1.39758
	35869_at	AB020499	9450	Hs.184018
	C	S		"MD-1, RP105関連"
549	-1.20283	2.41046		-1.51058
	34527_r_at	AF052108		
	C	S		
550	-2.25237	4.13312		-2.82802
	36661_s_at	X06882	929	Hs.75627
	C	S		CD14抗原
551	-1.36719	2.5076		-1.72398
	227_g_at	M33336	5573	Hs.183037
	C	S		"プロテインキナーゼ,
cAMP依存性, 調節因子, I型, α (組織特異的消失体 1)"				
552	-1.43675	2.40366		-1.79321
	39019_at	D14696	9741	Hs.111894
	C	S	C	リソソーム関連タン
パク質 膜貫通 4 α				
553	-2.4975	4.17998		-2.97286
	33890_at	AB008109	8490	Hs.24950
	C	S		Gタンパク質シグナル
伝達の調節因子 5				
554	-2.19138	3.6583		-2.60427
	38972_at	AF052169		
	C	S		
555	-2.0548	4.56248		-2.53769
	33900_at	U76702	10272	Hs.25348
	C	S		フォリスタチン様 3 (
分泌糖タンパク質)				
556	-1.18811	2.41226		-1.4509
	40301_at	AI703188	23432	Hs.301642
	C	S		G-タンパク質結合レ
セプター				
557	-1.19161	2.55394		-1.46953
	34928_at	AF060865	7755	Hs.13128
	C	S		ジンクフィンガータ
ンパク質205				
558	-1.01155	2.45343		-1.2683
	39514_s_at	W27961	3631	Hs.32944
	C	S		"イノシトールポリホ
スフェート-4-ホスファターゼ, I型, 107kD"				
559	-1.01999	2.95775		-1.3246
	1234_at	M83941	2042	Hs.123642
	C	S		EphA3
560	-2.04015	4.31188		-2.53648
	40767_at	M59499	7035	Hs.170279
	C	S		組織因子経路インヒビ

ター (リポタンパク質関連凝固インヒビター)

561	-0.952461	2.415	-1.21321
40168_at	AA150110	858	Hs.139851
C	S	C	カベオリン 2
562	-1.6504	3.02421	-2.02421
41681_at	AB005289	22	Hs.125856
C	S		"ATP-結合カセット, サ
ブファミリーB(MDR/TAP), メンバー7"			
563	-1.23495	2.4677	-1.53637
34637_f_at	M12963	124	Hs.73843
C	S		"アルコールデヒドロゲ
ナーゼ 1A (クラスI), αポリペプチド"			
564	-1.95325	2.5489	-1.84952
37324_at	X01060	7037	Hs.77356
C	S		"トランスフェリンレセ
プター (p90,CD71)"			
565	-1.84256	2.51562	-1.74102
265_s_at	M24736	6401	Hs.89546
C	S	C	セレクトイン E (内皮接
着分子 1)			
566	-2.20444	3.61002	-2.07434
37718_at	D43636	23182	Hs.375014
C	S		KIAA0096タンパク質
567	-1.88155	2.69015	-1.78162
36909_at	X62048	7465	Hs.75188
C	S		WEE1+ホモログ (S. pom
be)			
568	-1.88154	2.88621	-1.75438
34688_at	AB029001	23271	Hs.23585
C	S	C	KIAA1078タンパク
質			
569	-1.70276	2.69415	-1.5935
41280_r_at	AF007134	9479	Hs.23424
C	S		マイトジェン活性
9 化プロテインキナーゼ8相互作用タンパク質1			
570	-1.78477	2.66608	-1.67186
36867_at	W03846		
C	S		
571	-1.62412	2.599	-1.51785
41098_at	AB002379	23500	Hs.100113
C	S	C	KIAA0381タンパク質
572	-1.31563	2.59015	-1.21707
35721_at	M38180	3283	Hs.38586
C	S		"ヒドロキシ-δ-5-ステ
ロイドデヒドロゲナーゼ, 3 β-およびステロイド δ-イソメラーゼ 1"			
573	-1.70984	3.19969	-1.51408
39452_s_at	AJ005694		
C	S		
574	-2.2175	3.08709	-2.02777
AFFX-HSAC07/X00351_3_st	X00351	60	

Hs.288061	C	S		"アクチ
ン, β "				
575	-1.13336	2.50479	-1.00512	
41806_at	J04513	2247	Hs.284244	
C	S	C	線維芽細胞成長因子	
2 (塩基性)				
576	-2.11504	3.03905	-1.87718	
33380_at	AB005754	11044	Hs.22595	
1	C	S	ポリメラーゼ (DNA	
指向性) σ				
577	-1.79013	2.70182	-1.5877	
40693_at	L02840	3745	Hs.84244	
C	S		"カリウム電位型チャネ	
ル, Shab関連サブファミリー, メンバー1"				
578	-1.90534	3.11462	-1.68284	
36925_at	L26336	3306	Hs.75452	
C	S		ヒートショック 70kD タ	
ンパク質 2				
579	-1.80413	3.10638	-1.58556	
39771_at	AB018283	9886	Hs.15099	
C	S		KIAA0740遺伝子産物	
580	-2.23294	3.12581	-1.94751	
31720_s_at	M10905	2335	Hs.287820	
C	S		フィブロネクチン 1	
581	-1.95511	2.69242	-1.72061	
35223_at	AB023234	11234	Hs.29205	
C	S		α インテグリン 結	
合タンパク質63				
582	-1.43484	2.59288	-1.23135	
38420_at	Y14690	1290	Hs.82985	
C	S		"コラーゲン, 型 V, α 2	
"				
583	-1.45495	3.56531	-1.6094	
33684_at	Z71621	7482	Hs.258575	
C	S		"ウイングレス型 MMTV	
統合部位ファミリー, メンバー2B"				
584	-2.11471	3.62305	-2.28605	
37734_at	D80006	23181	Hs.322903	
C	S		KIAA0184タンパク質	
585	-1.92636	3.51534	-2.08462	
39098_at	X52896	2006	Hs.9295	
C	S		"エラスチン(大動脈弁上	
狭窄, Williams-Beuren症候群)"				
586	-1.53387	2.94949	-1.62342	
1088_at	M61176	627	Hs.56023	
C	S		脳由来神経栄養因子	
587	-2.08792	3.18198	-2.19115	
1463_at	M93425	5782	Hs.62	
C	S		"タンパク質チロシンホスフ	
ァターゼ, 非レセプター型12"				

588	-1.73165	2.71955	-1.81869
36908_at	M93221	4360	Hs.75182
C	S		"マンノースレセプター
, C型 1"			
589	-1.31943	2.57314	-1.40257
41416_at	D14446	2267	Hs.107
C	S		フィブリノゲン様1
590	-2.1834	3.65193	-2.32052
39757_at	J04621	6383	Hs.1501
C	S		"シンデカン 2 (ヘパラン
表面プロテオグリカン 1, 細胞表面関連, フィブログリカン)"			
591	-2.20184	3.70897	-2.3352
2056_at	M34641	2260	Hs.748
C	S	C	"線維芽細胞成長因子レセ
プター1 (fms関連チロシンキナーゼ2, Pfeiffer症候群)"			
592	-1.33073	2.85971	-1.42654
34423_at	AL080065	25854	Hs.10173
5	C	S	DKFZP564J102タン
パク質			
593	-2.25961	3.66629	-2.25446
40659_at	U12767	8013	Hs.80561
C	S		"核レセプターサブファ
ミリー4, 群A, メンバー3"			
594	-2.20958	3.49521	-2.20089
424_s_at	X66945	2260	Hs.748
C	S	C	"線維芽細胞成長因子レ
セプター1(fms関連チロシンキナーゼ 2, Pfeiffer症候群)"			
595	-2.26516	3.34196	-2.22685
38833_at	X00457	3113	Hs.914
C	S		"主要組織適合性複合体,
クラスII, DP α 1"			
596	-1.89455	2.58208	-1.86366
36979_at	M20681	6515	Hs.7594
C	S	C	"溶質キャリアファミリ
ー2 (促進性グルコーストランスポーター), メンバー3"			
597	-1.92826	3.51004	-1.91176
39597_at	AB020650	22885	Hs.26777
C	S		KIAA0843タンパク質
598	-1.95838	2.47394	-1.94232
875_g_at	M26683	6347	Hs.303649
C	S		小型誘導性サイトカイ
ン A2 (単球走化性タンパク質1)			
599	-1.65517	2.84926	-1.63121
657_at	L11373	5098	Hs.284180
C	S		"プロトカドヘリン γ
サブファミリーC, 3"			
600	-1.77337	2.69569	-1.75223
1583_at	M32315	7133	Hs.256278
C	S		"腫瘍壊死因子レセプタ
ースーパーファミリー, メンバー1B"			

601	-1.40723	3.2476	-1.42182
36560_at	AB007950	9911	Hs.6360
C	S		KIAA0481遺伝子産物
602	-2.28014	4.1799	-2.33291
41246_at	AI743134	10292	
C	S		トリヌクレオチド繰り返し含
有 3			
603	-1.53324	3.09554	-1.56592
36863_at	AF032862	3161	Hs.72550
C	S		ヒアルロナン媒介性
運動性レセプター (RHAMM)			
604	-1.66424	2.8232	-1.72028
36142_at	X79204	6310	Hs.74520
C	S	C	"脊髄小脳 運動失調 1
(オリブ橋小脳 運動失調1, 常染色体優性, アタキシ 1)"			
605	-2.23697	3.46886	-2.29254
35079_at	AB003592	27255	Hs.10905
C	S		コンタクチン 6
606	-1.61621	3.59721	-1.67207
33551_s_at	M81778	3358	Hs.46362
C	S		5-ヒドロキシトリブ
タミン (セロトニン)レセプター2C			
607	-1.71731	2.59789	-1.76415
607_s_at	M10321	7450	Hs.110802
C	S		von Willebrand因子
608	-1.95351	2.96342	-1.60924
34294_at	AL041493	3801	Hs.23131
C	S		キネシンファミリー
メンバーC3			
609	-2.20383	2.75199	-1.87984
37398_at	AA100961	5175	Hs.78146
C	S		血小板/内皮細胞接着
分子 (CD31抗原)			
610	-2.40837	3.46733	-1.93543
36409_f_at	Z49105	6757	Hs.355600
C	S		"滑膜肉腫, X プレ
ークポイント2"			
611	-2.16497	2.80978	-1.78559
1771_s_at	J03278	5159	Hs.76144
C	S		"血小板由来 成長因子
レセプター, β ポリペプチド"			
612	-2.34534	3.38687	-1.91613
38427_at	L25286	1306	Hs.83164
C	S		"コラーゲン, 型 XV, α
1"			
613	-1.85359	3.0336	-1.48978
40318_at	AI810807	1780	Hs.65248
C	S		"ダイニン, 細胞質,
中間体ポリペプチド1"			
614	-2.08248	2.57554	-1.66919

37536_at	Z11697	9308	Hs.79197
C	S		"CD83抗原 (活性化Bリ
ンパ球, 免疫グロブリンスーパーファミリー)"			
615	-2.16938	2.46773	-1.66757
41788_i_at	AB014569	9819	Hs.5252
6	C	S	KIAA0669遺伝子産
物			
616	-2.14059	2.58207	-1.63496
32111_at	AL050164	9425	Hs.16081
C	S		"染色領域タンパク質
, Y染色体様"			
617	-1.73475	2.41703	-1.29169
36728_at	M76446	146	Hs.557
C	S		"アドレナリン作用性, α -1
D-, レセプター"			
618	-2.04982	2.40125	-1.57443
41354_at	U25997	6781	Hs.25590
C	S		スタニオカルシン 1
619	-2.32703	3.10955	-1.7789
36993_at	M33210		C
S			
620	-1.90031	2.5998	-1.44023
213_at	M97675	4919	Hs.274243
C	S		レセプターチロシンキナー
ゼ様 オーファンレセプター1			
621	-1.92879	2.86444	-1.46896
1035_g_at	U14394	7078	Hs.245188
C	S	C	"メタロプロテイン
ーゼ3の組織インヒビター(ソーズビー底ジストロフィー, 偽炎症性)"			
622	-1.68185	2.60191	-1.26128
417_at	X65293	5581	Hs.211592
C	S		"プロテインキナーゼC,
ε "			
623	-2.48108	3.27486	-1.39283
34474_at	W28429		
C	S		
624	-2.70048	2.9153	-1.6914
2087_s_at	D21254	1009	Hs.75929
C	S		"カドヘリン 11, 型 2, 0
B-カドヘリン (骨芽細胞)"			
625	-2.31407	2.90412	-1.38112
40480_s_at	M14333	2534	Hs.169370
C	S	C	"SRCに関連するFYN
オンコジーン, FGR, YES"			
626	-2.86321	3.49022	-1.75099
32782_r_at	AA058762	26029	
C	S		KIAA0728タンパク質
627	-1.57673	2.47917	-0.872068
34341_at	U00238	5471	Hs.311
C	S		ホスホリボシル ピロホ

スフェート アミドトランスフェラーゼ					
628	-2.06882	2.49305	-1.32315		
1716_at	U43586	8844	Hs.152094		
C	S		rasのキナーゼサプレッ		
サ					
629	-2.24937	2.86685	-1.49328		
2059_s_at	M36881	3932	Hs.1765		
C	S		リンパ球特異的タンパ		
ク質 チロシンキナーゼ					
630	-2.17355	2.55899	-1.46222		
36940_at	D86970	9220	Hs.75822		
C	S		TGFB1誘導性抗アポトー		
シス因子1					
631	-1.54723	2.53489	-0.933687		
37419_g_at	M36653	5452	Hs.1101		
C	S		"POUドメイン, クラ		
ス2, 転写因子2"					
632	-2.54849	2.51959	-1.75328		
39839_at	M24069	8531	Hs.198726		
C	S		寒冷ショックドメイン		
タンパク質 A					
633	-1.8606	2.50893	-1.19476		
34722_at	U44385	7077	Hs.6441		
C	S		メタロプロテイナーゼ2		
の組織インヒビター					
634	-2.72594	3.1913	-1.81769		
41549_s_at	AF091077	8905	Hs.40368		
C	S		"アダプター関連タ		
ンパク質複合体1, σ 2サブユニット"					
635	-2.11647	2.59964	-1.38855		
33290_at	M74161	3633	Hs.182577		
C	S		"イノシトールポリホ		
スフェーター5-ホスファターゼ, 75kD"					
636	-2.03869	2.94756	-1.4134		
34772_at	AB023142	10391	Hs.24907		
C	S		"コロニン, アクチン		
結合タンパク質, 2B"					
637	-2.14971	3.24455	-1.49726		
41653_at	AL008729	81705	Hs.19197		
C	S		KIAA1733タンパク		
9					
質					
638	-2.27398	2.68173	-1.67845		
37912_at	X80200	9618	Hs.8375		
C	S	T	TNFレセプター関連因子		
4					
639	-2.00855	2.63237	-1.3538		
37643_at	X63717	355	Hs.82359		
C	S		"腫瘍壊死因子レセプター		
スーパーファミリー, メンバー6"					
640	-2.55367	3.67185	-1.66633		

39425_at	X91247	7296	Hs.13046
C	S		チオレドキシン レダク
ターゼ 1			
641	-2.31639	2.65646	-1.60945
41542_at	AF062346	7763	Hs.3776
C	S		ジンクフィンガータン
バク質216			
642	-2.46763	3.53416	-1.68047
242_at	M64571	4134	Hs.239298
C	S		微小管関連タンパク質 4
643	-2.42542	2.85762	-1.72763
311_s_at	M10905	2335	Hs.287820
C	S		フィブロネクチン 1
644	-2.65111	3.12121	-1.85777
36976_at	D21255	1009	Hs.75929
C	S		"カドヘリン 11, 型 2,
OB-カドヘリン (骨芽細胞)"			
645	-1.94023	2.63589	-1.32088
40651_s_at	AF039523	1394	Hs.7911
C	S		コルチコトロピン
放出ホルモンレセプター1			
646	-0.456915	2.64774	-2.08637
36825_at	X82200	10346	Hs.318501
C	ST		3部のモチーフ含有
22			
647	-1.032	3.80461	-3.58266
40516_at	L19872	196	Hs.170087
C	ST		アリアル炭化水素レセプ
ター			
648	-0.61942	3.58206	-2.8359
41577_at	AB020630	26051	Hs.45719
C	ST		"プロテインホスフ
ァターゼ1, 調節因子(インヒビター)サブユニット 16B"			
649	-0.771572	3.48081	-3.02112
40833_r_at	AL050126	26092	Hs.23
C	ST	C	DKFZP586G011
タンパク質			
650	-0.317093	2.45961	-1.78387
40426_at	X89985	9275	Hs.16269
C	ST		B細胞 CLL/リンパ腫7
B			
651	-0.662026	4.69865	-3.54549
35146_at	AB007836	7041	Hs.25511
C	ST		形質転換成長因子
β 1誘導性 転写物1			
652	-0.413993	4.89101	-3.25824
1580_f_at	M27318	3441	Hs.1510
C	ST		"インターフェロン,
α 4"			
653	-0.284306	3.59755	-2.36669

4	37632_s_at	X98260	27000	Hs.8225
1	C	ST		ズオチン関連因子
654	-0.636288	3.42278	-2.79225	
	32488_at	X14420	1281	Hs.119571
	C	ST	C	"コラーゲン, I型II
	, α 1(Ehlers-Danlos症候群 IV型, 常染色体優性)"			
655	-0.695468	2.58021	-2.43467	
	38113_at	AB018339	23345	Hs.8182
	C	ST		シナプス核発現遺
	伝子 1b			
656	-0.599988	4.253	-3.19271	
	38038_at	U21128	4060	Hs.79914
	C	ST	C	ルミカン
657	-0.904147	5.10775	-4.10827	
	38326_at	M69199	50486	Hs.95910
	C	ST		推定リンパ球G0/G1
	スイッチ遺伝子			
658	-0.704193	4.29647	-3.37127	
	39691_at	AB007960	51100	Hs.1363
09	C	ST	C	"SH3-ドメイン,
	GRB2様, エンドフィリンB1"			
659	-0.483812	3.25723	-2.47953	
	31470_at	W27604		
	C	ST		
660	-0.571589	2.93084	-2.55409	
	38752_r_at	AA426364	521	Hs.8553
9	C	ST		"ATPシンターゼ,
	H ⁺ 輸送, ミトコンドリアF0複合体, サブユニット e"			
661	-0.614667	3.56798	-2.9907	
	36044_at	AF022912	5147	Hs.48291
	C	ST		"ホスホジエステラ
	ーゼ6D, cGMP特異的, rod, δ "			
662	-0.492639	2.64628	-2.27298	
	39317_at	D86324	8418	Hs.24697
	C	ST	C	シチジン ーリン酸-
	N-アセチルノイラミン酸 ヒドロキシラーゼ (CMP-N-アセチルノイラミン酸 マンノオキシ			
	ゲナーゼ)			
663	-0.475675	2.4304	-2.12366	
	37748_at	D86985	9778	Hs.79276
	C	ST		KIAA0232遺伝子産物
664	-0.650311	5.4172	-4.06611	
	33318_at	AF061261	10150	Hs.28360
9	C	ST		C3H型ジンクフィ
	ンガータンパク質; D. メラノガスター筋盲 Bタンパク質に類似			
665	-0.320958	2.46107	-1.87838	
	33582_s_at	AA523313	27303	Hs.15
8446	C	ST		"RNA結合モチ
	ーフ, 一本鎖相互作用タンパク質3"			
666	-0.780606	2.29626	-2.44445	

33849_at	U02020	10135	Hs.239138
C	ST		前B細胞 コロニー
増強因子			
667	-0.742772	5.64259	-4.20978
32975_g_at	U07563	25	Hs.146355
C	ST		v-abl Abelsonマウ
ス白血病ウイルスオンコジーンホモログ 1			
668	-0.69143	5.11089	-3.83737
37251_s_at	AF016004	2824	Hs.5422
C	ST	C	糖タンパク質M6B
669	-0.538598	4.06856	-3.05802
32504_at	AW024812	81609	Hs.6761
C	ST		仮想タンパク質My
9			
014			
670	-0.499899	3.46691	-2.66834
35234_at	D50406	8434	Hs.29640
C	ST		kazalモチーフを含む
復帰変異誘発-システインリッチタンパク質			
671	-0.358652	3.54739	-2.50955
1508_at	D25303	3680	Hs.222
C	ST		"インテグリン, α 9"
672	-0.545942	3.90836	-2.98923
32092_at	AB007937	9672	Hs.15828
C	ST		シンデカン 3 (N-
7			シンデカン)
673	-0.510493	3.54805	-2.73802
39700_at	AI961929	392	Hs.138860
C	ST	C	Rho GTPase活性化
タンパク質1			
674	-0.627368	4.57777	-3.48597
35985_at	AB023137	11217	Hs.4232
C	ST	C	Aキナーゼ (PRKA
2			)アンカータンパク質2
675	-0.457362	2.85727	-2.27794
40387_at	U80811	1902	Hs.75794
C	ST		"内皮分化, リゾホス
ファチジル酸 G-タンパク質結合レセプター, 2"			
676	-0.723511	3.92192	-3.27738
32255_i_at	U40705	7013	Hs.19456
C	ST		テロメア反復結合
因子(NIMA相互作用)1			
677	-0.0565123	2.47591	-1.44823
33065_at	U80757	27317	Hs.36773
C	ST		トリヌクレオチド
繰り返し含有 22			
678	-0.865294	6.31312	-4.83689
36596_r_at	S68805	2628	Hs.75335
C	ST	C	グリシンアミジノ
トランスフェラーゼ(L-アルギニン:グリシンアミジノトランスフェラーゼ)			
679	-0.875261	4.21987	-3.68998

39695_at	M31516	1604	Hs.1369
C	ST		"補体に対する崩壊促
進因子(CD55, Cromer血液型システム)"			
680	-0.319626	3.55636	-2.46048
40949_at	AF035812	1783	Hs.19462
5	C	ST	"ダイニン, 細胞
質, 軽中間体ポリペプチド2"			
681	-0.709413	4.83525	-3.78459
32780_at	AB018271	26029	
C	ST		KIAA0728タンパク質
682	-0.435676	3.24432	-2.48175
33462_at	D13626	9934	Hs.2465
C	ST		Gタンパク質結合型レ
セプター105			
683	-0.890155	4.15636	-3.69517
1825_at	L33075	8826	Hs.1742
C	ST	C	IQモチーフ含有GTPase
活性化タンパク質1			
684	-0.513566	3.78258	-2.90115
33198_at	AA206524	23568	Hs.9552
C	ST	C	Ar1 Twoの結合剤
685	-0.636697	2.9565	-2.63652
36007_at	AL050137	25903	Hs.43658
C	ST		DKFZP586L151タン
パク質			
686	-0.230971	2.55862	-1.78416
702_f_at	X74862	55545	
C	ST		HPX-5
687	-0.729258	2.81216	-2.45631
37039_at	J00194	3122	Hs.76807
C	ST	C	"主要組織適合性複
合体, クラスII, DR α "			
688	-0.711263	2.65152	-2.35138
37027_at	M80899	195	Hs.301417
C	ST		AHNAK核タンパク質 (
デスモヨキン)			
689	-0.720638	3.66314	-2.84781
34808_at	AB023216	23387	Hs.3435
57	C	ST	KIAA0999タンパ
ク質			
690	-0.710549	2.77102	-2.39457
38363_at	W60864	7305	Hs.9963
C	ST		TYROタンパク質 チロ
シンキナーゼ結合タンパク質			
691	-0.938908	5.38272	-4.03771
1598_g_at	L13720	2621	Hs.78501
C	ST	C	成長停止特異的 6
692	-0.348431	2.7228	-1.85111
34747_at	X83535	4323	Hs.2399
C	ST		マトリックスメタロプ

ロテイナーゼ14(膜挿入)

693	-0.642125	2.51791	-2.1985
35420_r_at	AB020720	23053	Hs.651
C	ST		KIAA0913タンパ
ク質			
694	-0.65203	3.94012	-2.90825
33472_at	Z11737	2329	Hs.2664
C	ST		フラビン含有マンノオ
キシゲナーゼ 4			
695	-0.635299	2.67583	-2.26334
31855_at	U61374	8406	Hs.15154
C	ST	C	"sushi反復含有タン
パク質, X染色体"			
696	-0.563285	3.94785	-2.79063
32210_at	M83088	5236	Hs.1869
C	ST	C	ホスホグルコムター
ゼ 1			
697	-0.32856	2.75813	-1.85294
32555_at	AA149637	6907	Hs.76536
C	ST	C	トランスデューシ
ン(β)様 1			
698	-0.422963	2.43019	-1.83202
35331_at	U97067	8727	Hs.58488
C	ST		"カテニン(カドヘリ
ン関連タンパク質), α様1"			
699	-0.715114	3.4433	-2.77522
145_s_at	U80987	6910	Hs.50947
C	ST		Tボックス 5
700	-0.544539	3.50343	-2.55319
38059_g_at	Z22865	1805	Hs.80552
C	ST		デルマトポンチン
701	-0.669357	3.89508	-2.93661
41287_s_at	W28510	4256	Hs.36570
C	ST		マトリックスGla
タンパク質			
702	-0.247499	2.89031	-1.80662
AFFX-DapX-5_at	L38424		
C	ST		
703	-0.400591	2.77105	-1.98992
38920_at	AF016582	1111	Hs.20295
C	ST		CHK1チェックポイ
ントホモログ(S. pombe)			
704	-0.78946	5.04913	-3.7189
37201_at	D38535	3700	Hs.76415
C	ST		インター-α (グロブリ
ン)インヒビターH4 (血漿カリクレイン感受性糖タンパク質)			
705	-0.540494	3.60869	-2.6214
39623_at	X65724	4693	Hs.2839
C	ST		Norrie病 (偽網膜膠腫)
706	-0.849583	5.5232	-4.04999

38087_s_at	W72186	6275	Hs.81256
C	ST		"S100カルシウム結
合タンパク質A4(カルシウムタンパク質, カルバスクリン, メタスタシン, マウス胎盤ホ			
モログ)"			
707	-0.782352	3.04841	-2.70852
41723_s_at	M32578	3123	Hs.37557
C	ST		"主要組織適合性
複合体, クラスII, DR β 1"			
708	-0.802826	3.9482	-3.17809
32250_at	X07523	3075	Hs.250651
C	ST		H因子1 (補体)
709	-0.917192	3.64861	-3.19343
31869_at	AB014540	23075	Hs.1530
C	ST		SWAP-70タンパク
710	-0.948231	6.29768	-4.6097
38396_at	Y09836		
C	ST		
711	-0.47009	4.23232	-2.84344
40914_s_at	W27956		
C	ST		
712	-1.05358	4.76826	-3.99037
40771_at	Z98946		
C	ST		
713	-0.624142	3.20494	-2.55547
32305_at	J03464	1278	Hs.179573
C	ST	C	"コラーゲン, I型,
α 2"			
714	-0.327096	3.59882	-2.32299
39870_at	AI377866	27288	Hs.1216
C	ST		精巣特異的異種
核リボ核タンパク質G-T			
715	-0.388668	2.78997	-2.00085
36452_at	AB028952	11346	Hs.5307
C	ST		シナプトポジン
716	-0.607648	3.22151	-2.57199
32312_at	X06825	7169	Hs.300772
C	ST		トロポミオシン2 (
β)			
717	-0.509813	3.66263	-2.63694
37595_at	AF038201		
C	ST		
718	-0.51609	3.16079	-2.39084
38235_at	AB020722	22899	Hs.16714
C	ST		Rho グアニン交換
因子 (GEF)15			
719	-0.449956	3.32723	-2.38346
34629_at	U79302	9537	Hs.96908
C	ST		p53誘導タンパク質
720	-0.456206	3.10552	-2.27778

40719_at	AL022398	137	
C	ST		アデノシンA2bレセプター偽
遺伝子			
721	-0.472103	3.83333	-2.67277
552_at	U02570	392	Hs.138860
C	ST	C	Rho GTPase活性化タン
バク質1			
722	-0.560859	3.1112	-2.43788
35476_at	AB007878	9644	Hs.173448
C	ST		KIAA0418遺伝子産
物			
723	-0.701201	2.47456	-2.33824
37373_at	U27460	7360	Hs.77837
C	ST	C	UDP-グルコースピロ
ホスホリラーゼ 2			
724	-0.237791	2.47415	-1.64049
1555_f_at	U22029	1549	Hs.250615
C	ST		"シトクロムP450,
サブファミリーIIA(フェノバルビタール誘導性), ポリペプチド 7"			
725	-1.10669	4.77386	-4.15548
37680_at	U81607	9590	Hs.788
C	ST	C	Aキナーゼ (PRKA) アン
カータンパク質(グラビン)12			
726	-0.477913	2.45142	-1.99763
1135_at	L15388	2869	Hs.211569
C	ST	C	Gタンパク質結合型
レセプターキナーゼ5			
727	-0.74539	3.47587	-2.74508
37967_at	AF000424	7940	Hs.88411
C	ST		リンパ球抗原 117
728	-0.296921	2.71255	-1.72286
41226_at	L05147	1845	Hs.181046
C	ST		二重特異性ホスファ
ターゼ3 (ワクシニアウイルスホスファターゼVH1関連)			
729	-0.689922	3.93585	-2.86699
39674_r_at	AB011792	1842	Hs.350
94	C	ST	C
ックスタンパク質2, 女性器官および脂肪細胞特異的"			"細胞外マトリ
730	-1.02064	4.63618	-3.69301
31897_at	U53445	11259	Hs.15432
C	ST		卵巣癌でダウンレギ
ュレートされた 1			
731	-0.941611	3.49808	-3.0367
32168_s_at	U85267	1827	Hs.184222
C	ST		ダウン症候群 棄却
域遺伝子 1			
732	-0.647987	3.00403	-2.3845
41195_at	U49957	4026	Hs.180398
C	ST	C	脂肪腫においてLIM
ドメインを含有する好ましい転座パートナー			

733	-1.01839	5.22114	-3.99354
32076_at	D83407	10231	Hs.156007
C	ST	C	ダウン症候群 棄却
域遺伝子 1様 1			
734	-0.770853	2.73142	-2.44076
752_s_at	D85429	3337	Hs.82646
C	ST		"DnaJ (Hsp40) ホモロ
グ, サブファミリー-B, メンバー1"			
735	-1.01997	4.58127	-3.68961
39333_at	M26576	1282	Hs.119129
C	ST		"コラーゲン, IV型,
α 1"			
736	-1.18526	4.43068	-3.86171
1815_g_at	D50683	7048	Hs.82028
C	ST	C	"形質転換成長因子,
β レセプターII(70-80kD)"			
737	-0.573763	3.9119	-2.73164
1801_at	U76638	580	Hs.54089
C	ST		BRCA1関連RINGドメイン
1			
738	-0.656762	3.68827	-2.73399
36595_s_at	S68805	2628	Hs.75335
C	ST	C	グリシンアミジノ
トランスフェラーゼ(L-アルギニン:グリシンアミジノトランスフェラーゼ)			
739	-0.930269	2.62517	-2.63136
32775_r_at	AB006746	5359	Hs.198
282	C	ST	リン脂質スクラ
ンブラーゼ 1			
740	-0.877616	5.49471	-3.9319
1790_s_at	L33264	8558	Hs.77313
C	ST		サイクリン依存性キ
ナーゼ (CDC2様)10			
741	-0.799125	2.81845	-2.53561
35393_at	AB007953	57240	Hs.3677
51	C	ST	KIAA0484タンパ
ク質			
742	-0.822432	3.77424	-2.88344
2020_at	M73554	595	Hs.82932
C	ST		サイクリン D1 (PRAD1:
副甲状腺腺腫症1)			
743	-0.805348	4.14359	-3.01756
645_at	L26336	3306	Hs.75452
C	ST		ヒートショック 70kDタ
ンパク質 2			
744	-0.320575	3.50123	-2.02824
37952_at	M35999	3690	Hs.87149
C	ST		"インテグリン, β 3
(血小板糖タンパク質IIIIa, 抗原CD61)"			
745	-0.987703	3.94168	-3.21287
32666_at	U19495	6387	Hs.237356

	C	ST	C	間質細胞由来因子1
746	-0.33272		2.87255	-1.77992
	31621_s_at	M36860	2006	Hs.9295
	C	ST		"エラスチン(大動脈
	弁上狭窄,Williams-Beuren症候群)"			
747	-0.823369		4.05337	-3.02281
	40855_at	AB028976	23034	Hs.1735
71	C	ST		KIAA1053タンパ
	ク質			
748	-0.742461		2.96156	-2.41373
	35645_at	AL050148		
	C	ST		
749	-1.02452		4.45054	-3.48947
	40496_at	J04080	716	Hs.169756
	C	ST	C	"補体成分1, s 小成
	分"			
750	-0.591722		3.44975	-2.40978
	33796_at	U73960	10124	Hs.10706
	C	ST		ADP-リボシル化因子
	様 4			
751	-1.00876		4.69946	-3.59424
	1814_at	D50683	7048	Hs.82028
	C	ST	C	"形質転換成長因子,
	β レセプターII(70-80kD)"			
752	-1.0496		5.16466	-3.87576
	38098_at	D80010	23175	Hs.81412
	C	ST	C	リピン 1
753	-0.990947		4.02492	-3.27341
	34091_s_at	Z19554	7431	Hs.29775
3	C	ST		ビメンチン
754	-0.704501		3.7728	-2.75174
	32779_s_at	U23850	3708	Hs.198443
	C	ST	C	"イノシトール 1,
	4,5-三リン酸レセプター,型1"			
755	-0.887514		2.46329	-2.41951
	595_at	M59465	7128	Hs.211600
	C	ST	C	"腫瘍壊死因子, α 誘
	導タンパク質3"			
756	-1.23248		4.78308	-3.99194
	1911_s_at	M60974	1647	Hs.80409
	C	ST		"成長停止およびDNA
	損傷誘導性, α "			
757	-0.957252		4.35566	-3.39204
	34388_at	Y11710	7373	Hs.36131
	C	ST	C	"コラーゲン,型 XIV
	, α 1(undulin)"			
758	-1.05309		3.57233	-3.17347
	40091_at	U00115	604	Hs.155024
	C	ST		B細胞 CLL/リンパ腫6
	(ジンクフィンガータンパク質51)			

759	-0.851535	3.51158	-2.85632
37402_at	D26129	6035	Hs.78224
C	ST		"リボヌクレアーゼ,
RNase Aファミリー, 1(膵臓)"			
760	-0.344198	2.7695	-1.7768
32944_at	AF040990	6091	Hs.301198
C	ST		"ラウンドアバウト,
軸索 ガイダンスレセプター, ホモログ1 (Drosophila)"			
761	-0.641777	2.74175	-2.21152
35917_at	W26631	4130	Hs.194301
C	ST		微小管関連タンパク
質 1A			
762	-0.607399	2.71602	-2.15106
35905_s_at	U34995	2597	Hs.16947
C	ST		グリセルアルデヒ
ド-3-ホスフェートデヒドロゲナーゼ			
763	-0.802833	3.72818	-2.89686
34094_i_at	U80114		
C	ST		
764	-0.545246	3.66537	-2.49285
37574_at	L43821	10543	Hs.80261
C	ST		糸状化のエンハンサ
ー 1 (cas様ドッキング; Crk関連 基質関連)			
765	-1.14304	5.82633	-4.37285
37958_at	AL049257	83604	Hs.8769
C	ST	C	脳細胞膜タンパク
質 1			
766	-1.06503	4.60626	-3.69056
1276_g_at	D84110	11030	Hs.80248
C	ST	C	複数のスプライシ
ングを含む遺伝子RNA-結合タンパク質			
767	-1.00761	4.36858	-3.52306
32845_at	M85289	3339	Hs.211573
C	ST		ヘパラン表面プロテ
オグリカン 2 (ペルレカン)			
768	-1.1123	4.50088	-3.7252
38736_at	AL050108	9948	Hs.85100
C	ST		WD繰り返しドメイン 1
769	-1.00711	4.39958	-3.52809
32640_at	M24283	3383	Hs.168383
C	ST		"細胞間接着分子 1 (
CD54), ヒトライノウイルスレセプター"			
770	-0.809365	3.5258	-2.8307
1529_at	U50534	10129	Hs.181304
C	ST	C	仮想タンパク質CG003
771	-1.11268	4.61834	-3.7868
32166_at	AB028950	7094	Hs.375001
C	ST		talin1
772	-0.997771	3.8504	-3.25983
32808_at	X07979	3688	Hs.287797

	C	ST		"インテグリン, β 1 (フィブロネクチンレセプター, β ポリペプチド, 抗原 CD29(MDF2, MSK12を含む))"
773	-0.67698	2.9519	-2.11062	
	37354_at	U36501	6672	Hs.77617
	C	ST	C	核抗原 Sp100
774	-1.04804	2.94241	-2.62385	
	40079_at	AA156240		
	C	ST		
775	-1.3813	4.63904	-3.73792	
	33440_at	U19969	6935	Hs.232068
	C	ST	C	転写因子8 (インター ロイキン2発現を抑制する)
776	-0.938195	4.86944	-3.21828	
	704_at	U07809	4774	Hs.173933
	C	ST		核因子I/A
777	-1.1229	3.25134	-2.83946	
	34877_at	AL039831	3716	Hs.50651
	C	ST	C	Janusキナーゼ 1 (
	タンパク質 チロシンキナーゼ)			
778	-1.0033	3.73617	-2.86898	
	39021_at	AB020684	23333	Hs.11217
	C	ST		KIAA0877タンパク質
779	-1.04185	4.3422	-3.1598	
	36196_at	U24183	5213	Hs.75160
	C	ST		"ホスホフルクトキナー ゼ, 筋肉"
780	-0.916718	2.84548	-2.39685	
	1954_at	AF035121	3791	Hs.12337
	C	ST	C	キナーゼ挿入ドメイ ンレセプター(I型IIレセプターチロシンキナーゼ)
781	-0.883798	3.28933	-2.49112	
	32066_g_at	S68134	1390	Hs.15592
4	C	ST		cAMP応答エレメン ト調節因子
782	-0.924632	3.29987	-2.56339	
	33078_at	AL023753	65121	Hs.2964
47	C	ST		優先的に発現さ れる黒色腫の抗原に類似する仮想タンパク質
783	-1.2963	5.01402	-3.74255	
	40109_at	J03161	6722	Hs.155321
	C	ST	C	血清応答因子(c-fos 血清応答エレメントに結合する転写因子)
784	-0.639912	2.63144	-1.9083	
	33730_at	AF095448	9052	Hs.194691
	C	ST		レチノイン酸誘導 性 3
785	-0.897625	3.49581	-2.60445	
	41636_at	AB014565	9727	Hs.11900
4	C	ST		KIAA0665遺伝子産 物

786		-1.02089		3.13807		-2.63772
	37344_at		X62744		3108	Hs.77522
	C		ST			"主要組織適合性複合
	体, クラスII, DM α "					
787		-0.552203		2.64807		-1.8543
	40708_at		AL096751		10198	Hs.35123
0	C		ST			M期リンタンパク
質 9						
788		-1.08236		3.79501		-3.07117
	39175_at		D25328		5214	Hs.99910
	C		ST	C		"ホスホフルクトキナ
	ーゼ, 血小板"					
789		-1.03625		3.50277		-2.88769
	224_at		S81439		7071	Hs.82173
	C		ST			TGFB誘導性初期成長応答
790		-1.0919		3.57048		-2.98586
	39551_at		N98667		51317	Hs.106826
	C		ST			KIAA1696タンパク質
791		-0.964157		3.80045		-2.89581
	37807_at		M90299		2645	Hs.1270
	C		ST			"グルコキナーゼ(ヘキ
	ソキナーゼ4, 若者の成人発症型糖尿病2)"					
792		-0.916345		3.01076		-2.51012
	36856_at		W28743		80301	Hs.7159
	C		ST			仮想タンパク質PP162
8						
793		-0.583829		2.74654		-1.93481
	755_at		D26070		3708	Hs.198443
	C		ST	C		"イノシトール 1,4,5
	-三リン酸レセプター, 型1"					
794		-0.965142		3.16799		-2.63394
	33118_at		U73167		3373	Hs.75619
	C		ST			ヒアルロノグルコサ
	ミニダーゼ 1					
795		-0.930835		4.18174		-2.99768
	40468_at		AB011126		23048	Hs.3017
63	C		ST			フォーミン結合
	タンパク質17					
796		-0.685165		3.46749		-2.36499
	32032_at		L77566		8220	Hs.154879
	C		ST			DiGeorge症候群 棄
	却域遺伝子DGS1; マウスで発現される配列の類似のオルソログ 2 胚致死性					
797		-1.34507		5.72899		-4.18985
	1424_s_at		D78577		7533	Hs.349530
	C		ST			"チロシン 3-マンノ
	オキシゲナーゼ/トリプトファン5-マンノオキシゲナーゼ活性化タンパク質, ηポリペプ					
	チド"					
798		-0.614532		3.7912		-2.37809
	38167_at		AB020704		8497	Hs.153648
	C		ST			"タンパク質チロシ

ンホスファターゼ, レセプター型, f ポリペプチド (PTPRF), 相互作用タンパク質(リプリン), $\alpha 4$ "

799	-0.83267	2.90589	-2.33171
39854_r_at	AF055000	57104	Hs.118
463	C	ST	"輸送 - 分泌タ
ンパク質2.2,"			
800	-0.395048	2.52701	-1.56766
38506_at	X58840	6928	Hs.169853
C	ST		"転写因子2, 肝臓;
LF-B3; 改変体肝臓核因子"			
801	-1.30894	5.37596	-3.96251
2039_s_at	M14333	2534	Hs.169370
C	ST	C	"SRCに関連するFYN
オンコジーン, FGR, YES"			
802	-0.97915	4.73833	-3.25889
41289_at	AA126505	4684	Hs.167988
C	ST		神経系細胞接着分
子1			
803	-1.26808	4.73283	-3.66027
35366_at	M30269	4811	Hs.348994
C	ST		ニドジェン(エナクチ
ン)			
804	-0.996584	4.91931	-3.35163
39066_at	L38486	4239	Hs.296049
C	ST		ミクロフィブリル関
連タンパク質 4			
805	-0.813653	3.54103	-2.54769
39459_at	W28765		
C	ST		
806	-1.31068	4.05395	-3.55746
38354_at	X52560	1051	Hs.99029
C	ST	C	"CCAAT/エンハンサー
結合タンパク質(C/EBP), β "			
807	-0.773045	3.48442	-2.55471
40290_f_at	L13972	6482	Hs.30169
8	C	ST	"シアリルトラン
スフェラーゼ4A(β ガラクトシダーゼ α -2,3-シアリルトランスフェラーゼ)"			
808	-0.985725	4.7304	-3.40654
34844_at	D86975	9658	Hs.48450
C	ST	C	KIAA0222遺伝子産物
809	-0.912901	4.47738	-3.19575
37716_at	X05323	4345	Hs.79015
C	ST		モノクローナル抗体M
RC OX-2によって同定される抗原			
810	-1.04568	3.93775	-3.14277
38057_at	AL049798		
C	ST		
811	-0.811843	2.52814	-2.21998
38685_at	AL035306	23673	Hs.1068

23	C	ST			シンタキシン12
812	-0.925148		4.13371		-3.00034
	32307_s_at	V00503		1278	Hs.17957
3	C	ST	C		"コラーゲン, I型
	, α 2"				
813	-0.934799		3.09989		-2.61066
	38385_at	S65738		11034	Hs.82306
	C	ST			デストリン(アクチ
	ン脱重合因子)				
814	-1.08528		4.89402		-3.56592
	32318_s_at	X63432		60	Hs.288061
	C	ST			"アクチン, β "
815	-0.486732		2.51738		-1.73353
	31904_at	U67733		5138	Hs.154437
	C	ST			"ホスホジエステラ
	ーゼ2A, cGMP刺激性"				
816	-1.05962		3.13513		-2.79423
	40953_at	S80562		1266	Hs.194662
	C	ST			"カルボニン3, 酸性"
817	-0.741259		4.85337		-3.05796
	39497_at	W25945		55744	Hs.8173
	C	ST			仮想タンパク質FLJ10
803					
818	-1.02314		4.00975		-3.10764
	1736_at	M62402		3489	Hs.274313
	C	ST			インスリン様成長因子
	結合タンパク質6				
819	-1.13573		4.65614		-3.63476
	32224_at	AB018312		9873	Hs.19056
	C	ST			KIAA0769遺伝子産物
820	-0.493023		2.52137		-1.79211
	40737_at	U13913		3778	Hs.89463
	C	ST			"カリウム高伝導度
	カルシウム依存性チャネル, サブファミリーM, α メンバー1"				
821	-0.691486		3.80531		-2.63696
	40023_at	X60201		627	Hs.56023
	C	ST			脳由来神経栄養因子
822	-0.701148		3.52916		-2.53578
	39784_at	U26032		1965	Hs.151777
	C	ST			"真核生物翻訳開始
	因子2, サブユニット1 (α , 35kD)"				
823	-0.559442		3.03776		-2.12025
	41259_at	AI553745		51491	Hs.2799
18	C	ST			仮想タンパク質
824	-1.05491		4.2129		-3.29994
	33328_at	W28612			C
	ST				
825	-1.28299		5.46015		-4.17217
	41810_at	AA203545			
	C	ST			

826		-0.953817		4.42745		-3.25769
	39852_at		AB011182		23111	Hs.1180
87	C		ST	C		KIAA0610 タンパ
ク質						
827		-0.670884		3.03334		-2.26044
	39776_at		AB014523		9706	Hs.15140
6	C		ST			unc-51様キナーゼ
2 (C.elegans)						
828		-1.19591		4.00496		-3.42971
	36892_at		AF032108		3679	Hs.74369
	C		ST			"インテグリン, α 7
"						
829		-0.836661		2.48058		-2.26156
	36102_at		AF038962		7419	Hs.7381
	C		ST			電位依存性アニオン
チャンネル3						
830		-0.733877		4.30877		-2.96895
	41396_at		AB006629		7461	Hs.10471
7	C		ST			細胞質リンカー2
831		-0.774401		3.09695		-2.49037
	38438_at		M58603		4790	Hs.83428
	C		ST	C		B細胞における κ 軽
ポリペプチド遺伝子エンハンサーの核因子 1 (p105)						
832		-1.13999		4.60257		-3.68218
	39409_at		M14058		715	Hs.1279
	C		ST			"補体成分1, r 小成分"
833		-1.08702		3.41238		-3.08005
	38842_at		AB023206		51421	Hs.92186
	C		ST	C		Lemanコイルド-コ
イルタンパク質						
834		-0.866173		5.13128		-3.5106
	33733_at		AF093771		9429	Hs.194720
	C		ST			"ATP-結合カセット
, サブファミリーG(WHITE), メンバー2"						
835		-0.589245		3.14674		-2.23647
	32526_at		AA149644		84887	
	C		ST			仮想タンパク質FLJ14529
836		-0.703856		3.22245		-2.43814
	37573_at		AF007150		23452	Hs.8025
	C		ST			アンギオポエチン
様2						
837		-0.517466		2.69691		-1.93801
	32974_at		U07563		25	Hs.146355
	C		ST			v-abl Abelsonマウス
白血病ウイルスオンコジーンホモログ 1						
838		-0.761652		3.39532		-2.58479
	353_at		D30037		23760	Hs.7370
	C		ST			"ホスファチジルイノシ
トール転移タンパク質, β "						
839		-0.237071		2.46422		-1.4246

	1203_at	D17357		C
	ST			
840	-1.23788	5.02629	-3.97158	
	33924_at	AB029014	23258	Hs.26797
	C	ST		KIAA1091タンパク
質				
841	-1.03064	4.13736	-3.2799	
	39057_at	L04733	3831	Hs.117977
	C	ST		キネシン2 (60-70kD)
842	-0.603415	2.92834	-1.75465	
	33372_at	AI189226	11031	Hs.2230
25	C	ST	C	"RAB31, メンバ
	ーRASオンコジーンファミリー"			
843	-0.947381	4.04228	-2.56734	
	34071_at	Y11918		
C	ST			
844	-1.09502	2.9712	-2.41651	
	753_at	D86425	22795	Hs.82733
	C	ST	C	ニドジェン2
845	-1.31212	4.07567	-3.04312	
	32102_at	AB018273	26278	Hs.15949
2	C	ST		Charlevoix-Sagu
	enayの痙性失調 (サクシン)			
846	-0.617689	2.61562	-1.66032	
	31468_f_at	W26104		
C	ST			
847	-0.903569	2.94169	-2.14779	
	404_at	X52425	3566	Hs.75545
	C	ST		インターロイキン4レセ
プター				
848	-0.708937	2.51454	-1.75223	
	39591_s_at	Z36531	10875	Hs.3518
08	C	ST		フィブリノゲン
様2				
849	-1.38961	4.7802	-3.38238	
	1278_at	HG162-HT3165		
C	ST			
850	-1.05625	4.04847	-2.70589	
	36467_g_at	U26742	1837	Hs.336678
	C	ST		"ジストロブレピン
, α "				
851	-1.0609	4.06705	-2.65103	
	38503_at	M63967	219	Hs.169517
	C	ST		"アルデヒドデヒドロゲ
	ナーゼ1ファミリー,メンバーB1"			
852	-1.33883	3.54439	-2.85256	
	35224_at	AF070569	84981	Hs.29206
	C	ST		仮想タンパク質MGC
14376				
853	-0.86615	3.65347	-2.27463	

34953_i_at	D89094	8654	Hs.139271
C	ST		"ホスホジエステラ
ーゼ5A,cGMP特異的"			
854	-0.605345	2.50148	-1.57521
41821_at	AA203246	8621	Hs.59498
C	ST		細胞分裂周期2様 5
(コリンエステラーゼ関連細胞分裂制御因子)			
855	-1.49831	3.75531	-3.17802
36605_at	M74719	6925	Hs.326198
C	ST		転写因子4
856	-0.788454	3.65418	-2.20155
36319_at	U13220	2295	Hs.44481
C	ST		フォークヘッドボッ
クスF2			
857	-0.796854	2.88301	-1.97068
32256_r_at	U40705	7013	Hs.19456
C	ST		テロメアリピート
結合因子(NIMA相互作用)1			
858	-0.960784	2.74185	-2.14095
33816_at	AF020267	4650	Hs.15962
C	ST		ミオシンIXB
859	-0.88893	2.72726	-2.04138
32942_at	U91641	29906	Hs.22985
C	ST		"α2,8-シアリルトラ
ンスフェラーゼ"			
860	-1.22214	4.96093	-3.16648
38774_at	U77942	8417	Hs.8906
C	ST		シンタキシン7
861	-1.21927	4.30785	-2.96921
36542_at	AF030409	10479	Hs.62185
C	ST	C	"溶質キャリアフ
ァミリー9 (ナトリウム/水素交換体),アイソフォーム 6"			
862	-0.988225	3.12764	-2.2902
38418_at	X59798	595	Hs.82932
C	ST		サイクリン D1 (PRAD1:
副甲状腺腺腫症1)			
863	-1.19091	3.57289	-2.69354
553_g_at	U02570	392	Hs.138860
C	ST	C	Rho GTPase活性化タ
ンパク質1			
864	-1.23778	3.84076	-2.84206
34684_at	L36140	5965	Hs.235069
C	ST	C	RecQタンパク質様 (
DNAヘリカーゼ Q1様)			
865	-0.762058	3.19315	-2.01173
32453_at	M13299	611	Hs.102119
C	ST		"オブシン 1 (錐体視
物質), 短波感受性(色盲, トリタン)"			
866	-1.21236	4.26923	-3.0722
1375_s_at	M32304	7077	Hs.6441

	C	ST			メタロプロテインナーゼ
2の組織インヒビター					
867	-0.92581		2.44575		-2.06681
	35137_at	X69090		8736	Hs.2504
	C	ST			ミオメシン 1 (スケレ
ミン) (185kD)					
868	-0.910792		3.67548		-2.48706
	1566_at	S71824		4684	Hs.167988
	C	ST			神経系細胞接着分子1
869	-0.703962		2.77575		-1.90063
	35077_at	M74290		6869	Hs.1080
	C	ST			タキキニンレセプター
1					
870	-1.07124		4.0989		-2.8421
	41013_at	AL080114			
C	ST				
871	-1.03177		4.01313		-2.76084
	40661_at	D78579		8013	Hs.80561
	C	ST			"核レセプターサブフ
ァミリー4, グループA, メンバー3"					
872	-1.47516		4.16678		-3.40391
	32700_at	M55543		2634	Hs.171862
	C	ST	C		"グアニル酸結合タ
ンパク質2, インターフェロン誘導性"					
873	-1.10587		3.35331		-2.62765
	37242_at	U79260		79068	Hs.284741
	C	ST			仮想タンパク質MGC5
149					
874	-1.10479		3.59554		-2.65134
	32067_at	S68271		1390	Hs.155924
	C	ST			cAMP応答エレメント
調節因子					
875	-1.41668		3.49361		-3.0391
	853_at	S74017		4780	Hs.155396
	C	ST	C		核因子(赤血球由来 2)
様 2					
876	-1.50179		5.43308		-3.80694
	32585_at	AF027299		2037	Hs.7857
	C	ST	C		赤血球膜タンパク質
バンド 4.1様2					
877	-0.600496		2.8532		-1.74777
	41073_at	AI743745		8549	Hs.285529
	C	ST			Gタンパク質結合型
レセプター49					
878	-1.26		3.89099		-2.99084
	1857_at	AF010193		4092	Hs.100602
	C	ST			"MAD, ホモログ 7に対
する母体(Drosophila) (Drosophila)"					
879	-0.851289		2.8884		-2.09874
	32065_at	S68134		1390	Hs.155924

	C	ST		cAMP応答エレメント
調節因子				
880	-1.07288	2.99945	-2.43655	
	34770_at	Z14138	1326	Hs.248
	C	ST		マイトジェン活性化プロ
テインキナーゼキナーゼキナーゼ8				
881	-1.16887	2.95898	-2.54862	
	38355_at	AF000984	8653	Hs.99120
	C	ST	C	"DEAD/H (Asp-Glu-
Ala-Asp/His)ボックスポリペプチド, Y染色体"				
882	-1.35421	4.25444	-3.47526	
	1237_at	S81914	8870	Hs.76095
	C	ST		最初期応答3
883	-0.854243	4.51994	-2.89063	
	1336_s_at	X06318	5579	Hs.77202
	C	ST	C	"プロテインキナー
ゼC, β 1"				
884	-0.970324	4.25525	-2.94872	
	39227_at	AB006621	11122	Hs.2259
52	C	ST		"タンパク質チロ
シンホスファターゼ, レセプター型, T"				
885	-0.345538	2.99888	-1.62096	
	36897_at	D25217	23209	Hs.74518
	C	ST		KIAA0027タンパク質
886	-1.48486	5.87946	-4.28749	
	37539_at	AB023176	23179	Hs.79219
	C	ST		RalGDS様遺伝子
887	-1.21287	4.16458	-3.2575	
	38144_at	U79276		C
	ST			
888	-0.698976	2.88039	-2.05975	
	37786_at	AF055007		
	C	ST		
889	-1.22543	5.12979	-3.61226	
	39615_at	AB028949	23254	Hs.18399
4	C	ST	T	KIAA1026タンパ
ク質				
890	-0.688974	2.8162	-2.00589	
	33135_at	U17566	6573	Hs.84190
	C	ST	T	"溶質キャリアファミ
リー19 (葉酸トランスポーター), メンバー1"				
891	-0.886452	2.42949	-2.13259	
	38650_at	L27560		
	C	ST		
892	-1.02079	3.88603	-2.87046	
	301_at	L07518		C
	ST			
893	-0.881184	2.68007	-2.22152	
	35294_at	M25077	6738	Hs.554
	C	ST		"Sjogren症候群抗原 A2

(60kD, リボ核タンパク質自己抗原SS-A/Ro)"					
894	-0.485416	2.96821	-1.7719		
36469_at		U46744	1837	Hs.336678	
C		ST		"ジストロブレビン,	
α "					
895	-1.17971	3.83048	-3.04824		
39556_at		M96803	6711	Hs.107164	
C		ST	C	"スペクトリン, β ,	
非赤血球1"					
896	-0.903036	3.0391	-2.37288		
36442_g_at		U02632			
C		ST			
897	-0.808102	3.69398	-2.4898		
32182_at		AB023182	23012	Hs.18452	
C		ST		セリン/トレオニ	
ンキナーゼ38様					
898	-1.33861	5.27415	-3.81346		
33256_at		Y14494	8604	Hs.179866	
C		ST		"溶質キャリアファミ	
リー25 (ミトコンドリアキャリア,Aralar), メンバー12"					
899	-1.28424	4.34139	-3.38778		
37416_at		Z35227	399	Hs.109918	
C		ST		"rasホモログ遺伝子フ	
ァミリー, メンバーH"					
900	-0.634166	2.85024	-1.87304		
32098_at		M20777			
C		ST			
901	-0.864182	3.12469	-2.2797		
31557_at		M17733	7114	Hs.75968	
C		ST	C	"サイモシン, β 4,	
X染色体"					
902	-1.02972	3.05601	-2.47969		
33379_at		AB023140	22892	Hs.22587	
C		ST		KIAA0923タンパク	
質					
903	-0.600405	2.41276	-1.65285		
33108_i_at		L07335	6657	Hs.816	
C		ST		SRY (性決定領域Y)ボ	
ックス 2					
904	-1.16599	3.86235	-2.91784		
38026_at		U01244	2192	Hs.79732	
C		ST		フィブリン 1	
905	-0.724538	3.03497	-2.03465		
39218_at		AL080123	7571	Hs.55606	
C		ST		ジンクフィンガー	
タンパク質23(KOX 16)					
906	-0.922175	3.39407	-2.4337		
38761_s_at		AA487755	11328	Hs.302	
C		ST		FK506 結合タン	
パク質9 (63kD)					

907	-0.916813	3.10811	-2.3283
1075_f_at	M28585	3449	Hs.56303
C	ST		"インターフェロン,
α 16"			
908	-0.852308	3.11637	-2.2524
36089_at	AB023183	22876	Hs.52463
C	ST	C	Sacドメイン含有
イノシトールホスファターゼ2			
909	-0.931682	3.91586	-2.63643
158_at	U40992	11080	Hs.41693
C	ST		"DnaJ (Hsp40) ホモロ
グ, サブファミリーB, メンバー4"			
910	-1.05125	3.58994	-2.68458
31590_g_at	AL031983	2550	Hs.1670
17 C	ST	C	" γ アミノ酪酸(
GABA) ブレセプター, 1"			
911	-0.753691	3.52509	-2.25926
1818_at	M31470	23433	Hs.250697
C	ST		ras様タンパク質
912	-1.16427	4.06411	-3.08346
32306_g_at	J03464	1278	Hs.179573
C	ST	C	"コラーゲン, I型,
α 2"			
913	-0.752454	3.59558	-2.35092
36733_at	AI093511		
C	ST		
914	-1.25961	3.94404	-3.12648
38099_r_at	AF030555	2182	Hs.8145
2 C	ST		"脂肪酸-補酵素A
リガーゼ, 長鎖4"			
915	-0.641029	2.71587	-1.84728
36260_at	AB002448		
C	ST		
916	-1.21721	4.21067	-3.19221
32535_at	X63556	2200	Hs.750
C	ST	C	フィブリリン1 (Marfan
症候群)			
917	-0.473097	2.90789	-1.70252
35568_at	D17516	117	Hs.4748
C	ST		アデニル酸シクラーゼ
活性化ポリペプチド1(下垂体) レセプターI型			
918	-1.28083	5.27338	-3.64698
35644_at	AB014598	9843	Hs.31720
C	ST		ヘパエスチン
919	-0.813993	3.14968	-2.25079
32554_s_at	Y12781	6907	Hs.76536
C	ST	C	トランスデュース
ン(β)様 1			
920	-0.787769	2.76914	-2.07539
225_at	M31328	2784	Hs.71642

C	ST		"グアニンヌクレオチド
結合タンパク質(Gタンパク質), β ポリペプチド 3"			
921	-0.425685	3.82485	-3.47602
38323_at	AC005162	54504	Hs.9559
4	C	ST	"カルボキシペプ
チダーゼ, 卵黄形成様"			
922	-0.232118	2.78553	-2.39732
37150_at	AB026190	27252	Hs.1062
90	C	ST	Kelchモチーフ含
有Gタンパク質			
923	-0.288048	2.76317	-2.47375
39260_at	U59185	9122	Hs.351306
	C	ST	"溶質キャリアファ
ミリー16 (モノカルボン酸トランスポーター), メンバー4"			
924	-0.372604	5.16501	-4.34083
32750_r_at	X53416	2316	Hs.19546
4	C	ST	C
(アクチン結合タンパク質280)"			
925	0.0856645	2.67779	-1.77188
37558_at	U97188	10643	Hs.79440
	C	ST	IGF-II mRNA-結合タ
ンパク質3			
926	-0.476009	4.10666	-3.68682
39790_at	M23115	488	Hs.1526
	C	ST	T
"ATPase, Ca++ 輸送,			
心筋, 遅筋2"			
926	-0.476009	4.10666	-3.68682
39790_at	M23115	488	Hs.1526
	C	ST	C
"ATPase, Ca++ 輸送,			
心筋, 遅筋2"			
927	-0.191119	3.47926	-2.75897
33287_at	AA533071	51490	Hs.2241
37	C	ST	仮想タンパク質
928	0.134614	2.97337	-1.85146
33696_at	AI431615		
	C	ST	
929	-0.472739	5.64998	-4.77111
35330_at	AJ012737	2318	Hs.58414
	C	ST	"フィラミンC, γ
(アクチン結合タンパク質280)"			
930	-0.561348	4.21938	-3.92577
33876_at	AL050107	25937	Hs.3745
12	C	ST	PDZ-結合モチー
フ(TAZ)を含む転写共活性化因子			
931	-0.300859	2.77377	-2.46258
1651_at	U73379	11065	Hs.93002
	C	ST	T
ユビキチン結合酵素			
E2C			
932	-0.402267	3.6424	-3.26639
39072_at	L07648	4601	Hs.118630

	C	ST	C	MAX相互作用タンパ
ク質1				
933	-0.370673		3.97406	-3.44315
	34752_at	AL080111		
C	ST			
934	-0.136762		3.01191	-2.36419
	39665_at	U33267	2743	Hs.32973
	C	ST		"グリシンレセプター
, β "				
935	-0.028339		2.57088	-1.86749
	36927_at	AB000115	10964	Hs.7547
0	C	ST		"仮想タンパク質,
				骨芽細胞で発現される"
936	-0.0980381		2.66595	-2.04768
	37170_at	AB015331	55589	Hs.201
37	C	ST		マウス BMP-2 誘
				導性キナーゼのホモログ
937	-0.31705		4.66628	-3.83798
	41739_s_at	M83216	800	Hs.325474
	C	ST		カルデスモン1
938	-0.187147		2.5688	-2.13375
	36619_r_at	S78825	3397	Hs.75424
	C	ST	C	"DNA結合のインヒ
				ビター 1, ドミナントネガティブヘリックス-ループ-ヘリックスタンパク質"
939	-0.0353505		3.44377	-2.50197
	41463_at	AL042729		
C	ST			
940	-0.54716		6.00314	-5.19704
	38047_at	D84109	11030	Hs.80248
	C	ST	C	複数のスプライシン
				グを含むRNA-結合タンパク質遺伝子
941	-0.531981		2.80042	-2.89844
	41768_at	M33336	5573	Hs.183037
	C	ST		"プロテインキナー
				ゼ, cAMP依存性, 調節因子, I型, α (組織特異的 消失体 1)"
942	-0.0694643		2.82199	-2.12587
	35238_at	AB000509	7188	Hs.2973
6	C	ST	C	TNFレセプター関
				連因子5
943	-0.236989		4.61527	-3.69586
	AFFX-HSAC07/X00351_M_at		X00351	60
	Hs.288061	C	ST	"アク
				チン, β "
944	-0.344697		3.04205	-2.75615
	39447_f_at	W27095	10233	Hs.1555
86	C	ST		B7タンパク質
945	-0.145011		4.58428	-3.43511
	38408_at	L10373	7102	Hs.82749
	C	ST		膜貫通 4スーパーフ
				ァミリーメンバー2

946	-0.0736085	2.41755	-1.80726
1134_at	L13738	10188	Hs.153937
C	ST		活性化p21cdc42Hs
キナーゼ			
947	-0.393261	4.14388	-3.55362
32612_at	X04412	2934	Hs.290070
C	ST	C	"ゲルソリン(アミ
ロイドーシス,Finnish型)"			
948	-0.103204	4.01122	-2.96874
1133_at	L12701	2020	Hs.134989
C	ST		エングレイルドホモ
ログ2			
949	-0.173252	5.20806	-3.92546
120_at	X68742	3672	Hs.116774
C	ST	C	"インテグリン, α 1"
950	-0.607706	3.21799	-3.27419
32818_at	X78565	3371	Hs.289114
C	ST		"ヘキサブラチオン
(テネイシン C, サイトタクチン)"			
951	-0.472375	5.49682	-4.58397
2027_at	M87068		
C	ST		
952	-0.53092	3.49237	-3.30745
38278_at	M62324	10865	Hs.920
C	ST		モジュレータ認識因子I
953	-0.116232	2.63973	-2.01727
37376_at	M68864	51035	Hs.351296
C	ST		ORF
954	-0.324256	4.40911	-3.59883
1597_at	L13720	2621	Hs.78501
C	ST	C	成長停止特異的 6
955	-0.106064	3.30625	-2.46566
38509_at	U33202	4193	Hs.170027
C	ST		"Mdm2, 形質転換3T3
細胞二重微小 2,p53 結合タンパク質(マウス)"			
956	-0.378719	3.82696	-3.29705
39673_i_at	AB011792	1842	Hs.350
C	ST	C	"細胞外マトリ
ックスタンパク質2,女性器官および脂肪細胞特異的"			
957	-0.217776	2.63453	-2.1981
33911_at	AI765053		
C	ST		
958	-0.376259	5.22666	-4.26034
2057_g_at	M34641	2260	Hs.748
C	ST	C	"線維芽細胞成長因子
レセプター-1(fms関連チロシンキナーゼ 2, Pfeiffer症候群)"			
959	-0.417383	4.7024	-3.96344
36156_at	U41518	358	Hs.74602
C	ST		"アクアポリン1 (チャ
ネル形成 内在性タンパク質, 28kD)"			

960		-0.318552		5.51408		-4.2782
	38044_at		AF035283		11170	Hs.8022
	C		ST			TU3A タンパク質
961		-0.282029		4.33272		-3.40215
	37288_g_at		U55258		4897	Hs.7912
	C		ST			神経細胞接着分子
962		-0.729493		5.18034		-4.76219
	38220_at		U20938		1806	Hs.1602
	C		ST	C		ジヒドロピリミジン
	デヒドロゲナーゼ					
963		-0.384282		3.55373		-3.07249
	39698_at		U51712		84525	Hs.13775
	C		ST			仮想タンパク質SMAP
31						
964		-0.314756		4.68301		-3.73455
	39069_at		AF053944		165	Hs.118397
	C		ST	C		AE 結合タンパク
	質1					
965		-0.456911		4.18574		-3.62887
	36116_at		AJ000414		9322	Hs.73999
	C		ST			甲状腺ホルモンレ
	セプター インタラクター 10					
966		-0.588403		4.59692		-4.13247
	39781_at		U20982		3487	Hs.1516
	C		ST			インスリン様成長因子
	結合タンパク質4					
967		-0.644443		4.61718		-4.24147
	41738_at		M64110		800	Hs.325474
	C		ST			カルデスモン1
968		-0.454668		3.41623		-3.10136
	34803_at		AF022789		9959	Hs.42400
	C		ST	C		ユビキチン特異的
	プロテアーゼ12					
969		-0.306726		4.73813		-3.77477
	32551_at		U03877		2202	Hs.76224
	C		ST	C		EGF含有フィブリン
	様 細胞外マトリックスタンパク質1					
970		-0.227959		4.03035		-3.15298
	1776_at		L24564		6236	Hs.1027
	C		ST			糖尿病関連Ras関連
971		-0.365139		4.92742		-3.99319
	35169_at		AI982638		1307	Hs.26208
	C		ST			"コラーゲン, XVI
	型, α1"					
972		-0.495196		2.7794		-2.73805
	38064_at		X79882		9961	Hs.80680
	C		ST			主要なボールトタンパ
	ク質					
973		-0.397725		4.89721		-4.22517
	39082_at		Y00097		309	Hs.118796

	C	ST	C	アネキシンA6
974	-0.409587		4.44162	-3.90982
	38151_at	AF002672	4013	Hs.15294
4	C	ST		"ヘテロ接合性の
	喪失, 11, 染色体領域2, 遺伝子A"			
975	-0.457945		2.58054	-2.67357
	34766_r_at	AL050209	29957	Hs.24
713	C	ST		仮想タンパク質
976	-0.655764		4.0677	-4.09333
	35008_at	AB002345	8864	Hs.153405
	C	ST		ピリオドホモログ
2 (Drosophila)				
977	-0.185938		3.63738	-2.96669
	41220_at	AB023208	10801	Hs.1810
02	C	ST		MLLセプチン様融
合				
978	-0.209675		5.89347	-4.64615
	31810_g_at	Z21488	1272	Hs.14343
4	C	ST	C	コンタクチン 1
979	-0.378965		2.9621	-2.80743
	33326_at	D42087	23011	Hs.184627
	C	ST		KIAA0118タンパク質
980	-0.291263		3.79371	-3.25223
	35291_at	AL050287	9532	Hs.55220
	C	ST		BCL2関連アサノジ
ーン 2				
981	-0.18045		3.34507	-2.73733
	32522_f_at	M20469	1212	Hs.36566
	C	ST		"クラスリン, 軽ポ
リペプチド (Lcb)"				
982	-0.133567		5.09654	-3.93222
	39125_at	Z73903	7220	Hs.250687
	C	ST	C	一過性レセプター
電位チャネル 1				
983	-0.0942657		3.18564	-2.47665
	1975_s_at	X03563	3479	Hs.85112
	C	ST	C	インスリン様成長
因子1 (ソマトメジンC)				
984	-0.312293		5.26579	-4.36198
	37701_at	L13463	5997	Hs.78944
	C	ST		"Gタンパク質シグナ
ル伝達の調節因子2, 24kD"				
985	-0.172901		4.61037	-3.64435
	38856_at	AL109724	57188	Hs.1870
5	C	ST		KIAA1233タンパク
質				
986	-0.428069		4.62896	-4.16837
	32175_at	S72008	989	Hs.184326
	C	ST		CDC10細胞分裂周期1
0ホモログ (S.cerevisiae)				

987	-0.187768	2.82191	-2.40783
35121_at	Z18956	6533	Hs.1194
C	ST		"溶質キャリアファミ
リー6 (神経伝達物質トランスポーター, タウリン), メンバー6"			
988	-0.371908	2.79324	-2.70819
33817_at	S63912	10151	Hs.249247
C	ST		異種核リボ核タン
パク質 A3			
989	-0.194224	6.5002	-5.11192
37765_at	X54162	25802	Hs.79386
C	ST		ロイオモジン1 (平
滑筋)			
990	-0.245959	3.61849	-3.0837
34657_at	AB014529	11215	Hs.23207
C	ST	C	Aキナーゼ (PRKA
6)アンカータンパク質11			
991	-0.361822	2.93272	-2.78119
34296_at	AF041210	4281	Hs.27695
C	ST		正中1 (Opitz/BBB
症候群)			
992	-0.329851	4.9949	-4.24636
36958_at	X95735	7791	Hs.75873
C	ST		zyxin
993	-0.287274	2.76762	-2.53266
37422_at	S71018	5480	Hs.110364
C	ST		ペプチジルプロリル
イソメラーゼC(cyclophilin C)			
994	-0.127116	2.47006	-2.03662
654_at	L07648	4601	Hs.118630
C	ST	C	MAX相互作用タンパク
質1			
995	-0.305859	5.49044	-4.54717
33371_s_at	U59877	11031	Hs.2230
C	ST	C	"RAB31, メンバ
25 -RASオンコジーンファミリー"			
996	-0.355999	3.49462	-3.17502
39634_at	AB017168	9353	Hs.29802
C	ST		slitホモログ 2 (D
rosophila)			
997	-0.113777	2.61384	-2.1116
41774_at	U25771	379	Hs.183153
C	ST		ADPリボシル化因子4様
998	0.0596817	3.66523	-2.58262
31409_at	U35459	5273	Hs.158339
C	ST		"セリン (またはシ
ステイン)プロテイナーゼインヒビター, クレド B (オボアルブミン), メンバー10"			
999	-0.440172	5.60234	-4.87125
32544_s_at	L12535	6251	Hs.75551
C	ST	C	Rasサプレッサタ
ンパク質1			

1000	-0.38243	4.72227	-4.12728
37745_s_at	U15780	6764	Hs.79265
C	ST	C	腫瘍形成能の抑制
5			
1001	-0.171276	4.31658	-3.50202
31396_r_at	AB012851	4440	Hs.15
8311	C	ST	musashi ホモロ
グ 1(Drosophila)			
1002	-0.378069	2.60351	-2.59477
41143_at	U12022	801	Hs.177656
C	ST		"カルモジュリン1 (
ホスホリラーゼキナーゼ, δ)"			
1003	-0.410844	6.11941	-5.29137
33891_at	AL080061	25932	Hs.250
35	C	ST	クロライド細胞
内チャンネル4			
1004	0.160654	2.80662	-1.81788
40907_at	AA043502		
C	ST		
1005	-0.204198	4.91637	-4.02558
37158_at	AF035306		
C	ST		
1006	-0.22614	3.7594	-3.19717
31605_at	U72518		
C	ST		
1007	-0.116587	4.84943	-3.89186
37247_at	AF047419	6943	Hs.7806
1	C	ST	転写因子21
1008	-0.238816	4.66235	-3.96686
33856_at	Y13374	8933	Hs.250708
C	ST		CAAXボックス 1
1009	-0.228101	3.39048	-2.98322
34183_at	AL080169	26112	Hs.209
100	C	ST	DKFZP434C171タ
ンパク質			
1010	-0.313162	6.50779	-5.51044
40069_at	AF051850	6840	Hs.1545
67	C	ST	C
1011	-0.201353	3.57561	-3.07901
36192_at	D83777	9805	Hs.75137
C	ST	C	KIAA0193遺伝子産
物			
1012	-0.0868546	4.70274	-3.75596
33757_f_at	M69245	5680	Hs.375
567	C	ST	妊娠特異的 β -1
-糖タンパク質11			
1013	-0.0779178	2.40887	-1.97613
34446_at	AL049701	9910	Hs.242
271	C	ST	KIAA0471遺伝子
産物			

1014	-0.420472	5.11063	-4.65094
40841_at	AF049910	6867	Hs.1731
59	C	ST	C
性 コイルドコイル 含有タンパク質 1"			"形質転換, 酸
1015	-0.402498	4.07078	-3.82226
32569_at	L13385	5048	Hs.77318
C	ST		"血小板活性化因子
アセチルヒドロラーゼ, アイソフォーム Ib, αサブユニット(45kD)"			
1016	-0.232758	3.61607	-3.11907
34541_at	L02867	30850	Hs.78358
C	ST		腫瘍随伴性抗原
1017	0.0677038	3.56475	-2.5575
31809_at	Z21488	1272	Hs.143434
C	ST	C	コンタクチン 1
1018	-0.301534	2.94643	-2.73951
38985_at	AF063605	23484	Hs.110
00	C	ST	レプチンレセプ
ター重複転写物様1			
1019	-0.253616	3.5437	-3.11406
38317_at	M99701	9338	Hs.95243
C	ST	C	転写伸長因子A (SII
)様 1			
1020	-0.324705	5.85436	-4.97372
33405_at	N90755	10486	Hs.29634
1	C	ST	アデニルイルシク
ラーゼ関連タンパク質2			
1021	-0.332516	3.00477	-2.8406
32656_at	AF093419	8777	Hs.16937
8	C	ST	C
ンタンパク質			マルチPDZドメイ
1022	-0.284481	5.66358	-4.79606
41188_at	W28186	55353	Hs.29639
8	C	ST	推定膜内在性トラ
ンスポーター			
1023	-0.262318	5.3283	-4.49856
31672_g_at	D82351	5937	Hs.24156
7	C	ST	C
フ, 一本鎖相互作用タンパク質1"			"RNA結合モチーフ
1024	-0.0525725	4.78719	-3.71429
33359_at	AB018311	23284	Hs.21
917	C	ST	KIAA0768タンパ
ク質			
1025	-0.614437	4.04168	-4.13575
40775_at	AL021786	9452	Hs.1710
9	C	ST	内在性膜タンパク
質2A			
1026	-0.0171031	4.26537	-3.24855
1427_g_at	D89077	6503	Hs.7536
7	C	ST	Src様-アダプター
1027	0.0340631	2.4112	-1.75953

34293_at	AF004426	3801	Hs.23131
C	ST		キネシンファミリ
ーメンバーC3			
1028	-0.503391	5.71346	-5.19883
40419_at	X85116	2040	Hs.160483
C	ST	C	赤血球膜タンパク
質バンド 7.2(stomatin)			
1029	-0.281697	3.08011	-2.82125
39436_at	AF079221	665	Hs.13295
5	C	ST	C
ルS E1B19kD相互作用タンパク質3様			BCL2/アデノウイ
1030	-0.256422	2.7894	-2.61927
37841_at	M16541	590	Hs.1327
C	ST		ブチリルコリンエステ
ラーゼ			
1031	-0.239544	3.74226	-3.3189
36505_at	D55655	845	Hs.57975
C	ST		カルセケストリン 2 (
心筋)			
1032	-0.204716	6.13376	-5.1085
333_s_at	X64652	5937	Hs.241567
C	ST	C	"RNA結合モチーフ,
一本鎖相互作用タンパク質1"			
1033	-0.0795717	3.48702	-2.83961
37554_at	U62801	5653	Hs.79361
C	ST		"カリクレイン 6 (
ニューロシン, ザイム)"			
1034	-0.183174	3.1546	-2.75704
129_g_at	X82153	1513	Hs.83942
C	ST		カテプシンK (ピクノ
ディスオストーシス)			
1035	-0.118431	3.20301	-2.67405
33260_at	L13857	6654	Hs.326392
C	ST		セブンレスホモロ
グの子孫 1(Drosophila)			
1036	-0.321916	5.21864	-4.58136
41225_at	AL049417	1845	Hs.1810
46	C	ST	二重特異性ホス
ファターゼ3 (ワクシニアウイルスホスファターゼVH1関連)			
1037	-0.0770763	4.22076	-3.38009
35075_at	AI571208	27079	
C	ST		C18B11ホモログ (44.9kD
)			
1038	-0.29118	3.88935	-3.55913
39379_at	AL049397		
C	ST		
1039	-0.0778284	5.69347	-4.59397
581_at	M61916	3912	Hs.82124
C	ST	C	"ラミニン, β 1"
1040	-0.466943	5.67962	-5.274

35803_at	S82240	390	Hs.6838
C	ST	C	"rasホモログ遺伝子フ
ファミリー, メンバーE"			
1041	0.188608	2.87471	-1.91266
1540_f_at	X02956	3442	Hs.37113
C	ST		"インターフェロン,
α 5"			
1042	-0.064656	2.65924	-2.21754
41748_at	AA196476	7125	Hs.1824
21 C	ST		"トロポニンC2,
fast"			
1043	-0.0821576	5.05893	-4.13322
1269_at	M61906	5295	Hs.6241
C	ST	C	"ホスホイノシチド-
3-キナーゼ, 調節サブユニット, ポリペプチド 1 (p85 α)"			
1044	-0.253203	4.87141	-4.27971
35742_at	U95740	9665	Hs.352343
C	ST		KIAA0430遺伝子産
物			
1045	-0.411994	4.32467	-4.13735
38739_at	AF017257	2114	Hs.8514
6 C	ST	C	v-ets 赤芽球症
ウイルスE26オンコジーンホモログ2 (トリ)			
1046	0.0738178	2.56882	-1.88873
38202_at	AB011535	2196	Hs.1581
59 C	ST		FAT腫瘍サブレッ
サホモログ 2(Drosophila)			
1047	-0.578998	4.70196	-3.74418
37617_at	U90912	54462	Hs.81897
C	ST	C	KIAA1128タンパク
質			
1048	-0.134413	4.14063	-2.68225
36217_at	Z35102	11329	Hs.8724
C	ST		セリン/トレオニン
キナーゼ38			
1049	-0.800571	4.71956	-4.10057
40567_at	X01703	7846	Hs.272897
C	ST	C	"チューブリン, α
3"			
1050	-0.424329	6.09192	-4.31726
36095_at	N99340	25999	Hs.7357
C	ST		DKFZP586N1922タン
パク質			
1051	-0.881197	4.14235	-3.88128
38409_at	M61199	6744	Hs.351355
C	ST		精子特異的抗原 2
1052	-0.362172	2.85191	-2.32828
34561_at	M89796	2206	Hs.30
C	ST		"膜貫通4-ドメイン, サ
ブファミリーA, メンバー2(IgEのFcフラグメント, 高親和性 I, レセプター; βポリペプ			

チド)"					
1053	-0.675977	4.19887	-3.64788		
34403_at	U58516	4240	Hs.3745		
C	ST	C	乳脂肪球-EGF因子8		
タンパク質					
1054	-0.407976	4.03906	-3.11693		
40077_at	Z11559	48	Hs.154721		
C	ST		"アコニターゼ 1, 可		
溶性"					
1055	-0.396977	3.15088	-2.53431		
39850_at	X56958	287	Hs.117970		
C	ST		"アンキリン 2, ニ		
ューロン"					
1056	-0.568704	4.90803	-3.87014		
34802_at	X15882				
C	ST				
1057	-0.650708	5.08678	-4.10864		
39775_at	X54486	710	Hs.151242		
C	ST		"セリン (またはシ		
ステイン)プロテイナーゼインヒビター,クレード G (C1インヒビター), メンバー1"					
1058	-0.57803	3.82857	-3.23379		
38730_at	AB020671	23164	Hs.8488		
C	ST		KIAA0864タンパク		
3					
質					
1059	-0.5207	6.17656	-4.56032		
1217_g_at	X07109	5579	Hs.77202		
C	ST	C	"プロテインキナー		
ゼC, β 1"					
1060	-0.489357	2.97718	-2.58051		
31867_at	AF052174				
C	ST				
1061	-0.613016	3.6694	-3.19732		
1530_g_at	U50534	10129	Hs.18130		
C	ST	C	仮想タンパク質C		
4					
G003					
1062	-0.629468	3.42601	-3.0771		
32145_at	X58141	118	Hs.183706		
C	ST		アデューシン 1 (α)		
1063	-0.239265	3.4142	-2.43781		
40804_at	Y08613	4927	Hs.172108		
C	ST		ヌクレオポリン 88k		
D					
1064	-0.0280124	2.4055	-1.48957		
1803_at	X05360	983	Hs.334562		
C	ST		"細胞分裂周期2, G1		
~SおよびG2~M"					
1065	-0.516454	3.73123	-3.09859		
38079_at	AL049367				
C	ST				
1066	-0.658806	6.0944	-4.75526		

	41744_at	AF070533	10133	Hs.2788
98	C	ST		腫瘍壊死因子 α
	誘導性 細胞タンパク質含有ロイシンジッパードメイン; ハンチンチン相互作用タンパク質L; 転写因子IIIA相互作用タンパク質			
1067	-0.438462	4.19567	-3.25245	
	934_at	L11702	2822	Hs.272529
	C	ST		グリコシルホスファ
	チジルイノシトール特異的ホスホリパーゼ D1			
1068	-0.40144	3.27828	-2.62728	
	39701_at	AB006625	5178	Hs.13903
3	C	ST		父性的発現 3
1069	-0.504626	4.69722	-3.64972	
	37484_at	X68742	3672	Hs.116774
	C	ST	C	"インテグリン, α
1"				
1070	-0.490804	2.69547	-2.41674	
	41158_at	M54927	5354	Hs.1787
	C	ST		"プロテオリピドタン
	パク質 1(Pelizaues-Merzbacher病, 痙性対麻痺 2, 無併発性)"			
1071	-0.573891	4.98874	-3.94204	
	39690_at	AF002282	27295	Hs.135
281	C	ST		α - アクチニン-2
	関連 LIMタンパク質			
1072	-0.448901	2.75081	-2.38611	
	39360_at	AF034546	8724	Hs.1210
2	C	ST		選別ネキシシン 3
1073	-0.197771	4.26866	-2.9048	
	34733_at	X85237	10291	Hs.334691
	C	ST		"スプライシング因
	子 3a, サブユニット1, 120kD"			
1074	-0.324133	4.11254	-3.01217	
	38361_g_at	AI688812	10235	Hs.9
9491	C	ST		RASグアニル放
	出タンパク質 2(カルシウムおよびDAG調節性)			
1075	-0.574455	2.90711	-2.62198	
	34301_r_at	Z19574	3872	Hs.2785
	C	ST		ケラチン 17
1076	-0.759801	2.28628	-2.55266	
	38778_at	AB028969	22867	Hs.895
19	C	ST	C	KIAA1046タンパ
	ク質			
1077	-0.499565	4.38627	-3.36288	
	34318_at	AJ005896	11230	Hs.295
95	C	ST		JM4タンパク質
1078	-0.353507	3.00357	-2.32148	
	37388_at	D29992	7980	Hs.295944
	C	ST		組織因子経路イン
	ヒビター 2			
1079	-0.601605	4.29109	-3.47198	
	36917_at	Z26653	3908	Hs.75279

	C	ST		"ラミニン, α 2 (メ
ロシン, 先天性 筋ジストロフィー)"				
1080	-0.255423	2.69532	-1.98774	
	1466_s_at	S81661	2252	Hs.37498
8	C	ST		線維芽細胞成長因
子 7 (ケラチノサイト成長因子)				
1081	-0.491553	4.03767	-3.17064	
	39416_at	U90913	30851	Hs.12956
	C	ST		Tax相互作用タンパ
ク質 1				
1082	-0.385671	3.99264	-2.97435	
	36246_at	Z35309	114	Hs.2522
	C	ST		アデニル酸シクラーゼ
8 (脳)				
1083	-0.259436	2.98132	-2.18127	
	38551_at	U52112	393	Hs.3109
	C	ST		Rho GTPase活性化タン
パク質4				
1084	-0.221118	2.73952	-1.97936	
	40820_at	AL049219	9939	Hs.1028
3	C	ST		RNA 結合モチーフ
タンパク質 8A				
1085	-0.569874	3.7621	-3.06512	
	37755_at	AB023169	22903	Hs.7935
	C	ST		KIAA0952タンパク
質				
1086	-0.524886	2.52473	-2.28169	
	1730_s_at	M17446	2249	Hs.1755
	C	ST		"線維芽細胞成長因
子 4 (ヘパリン分泌形質転換タンパク質1, カボジ肉腫オンコジーン)"				
1087	-0.814292	4.26453	-3.73719	
	40786_at	U37352	5527	Hs.171734
	C	ST	C	"プロテインホス
ファターゼ2, 調節サブユニットB(B56), γ アイソフォーム"				
1088	-0.532374	3.62252	-2.92263	
	38659_at	AB020669	8036	Hs.1043
15	C	ST		クリアホモログ
の soc-2抑制因子(C. elegans)				
1089	-0.273207	2.54562	-1.88591	
	40699_at	M12824	925	Hs.85258
	C	ST		"CD8抗原, α ポリペ
プチド(p32)"				
1090	-0.68828	5.32998	-4.13709	
	AFFX-HSAC07/X00351_3_at	X00351	60	
Hs.288061	C	ST		"アク
チン, β "				
1091	-0.25212	3.05772	-2.1485	
	39654_at	S67156	443	Hs.32042
	C	ST		"アスパルトアシラーゼ
(アミノアシラーゼ2, Canavan病)"				

1092		-0.167173	3.06324		-2.02047
	34200_at	X83378	1185		Hs.211614
	C	ST	T		クロライドチャネ
ル 6					
1093		-0.215795	2.49013		-1.76881
	31594_at	Y16788	3883		Hs.197874
	C	ST			"ケラチン, 髪, 酸
性, 3A"					
1094		-0.637877	3.76323		-3.19334
	1737_s_at	M62403	3487		Hs.1516
	C	ST			インスリン様成長因
子結合タンパク質4					
1095		-0.428087	2.6951		-2.24134
	1194_g_at	AF002224	7337		Hs.1806
86	C	ST			"ユビキチンタン
パク質リガーゼE3A (ヒト 乳頭腫ウイルス E6関連タンパク質, Angelman症候群)"					
1096		-0.776335	4.99697		-4.12191
	39167_r_at	D83174	872		Hs.9930
	C	ST			"セリン (またはシ
ステイン)プロテイナーゼインヒビター, クレド H (ヒートショックタンパク質 47),					
メンバー2"					
1097		-0.476887	3.30503		-2.66577
	40044_at	U16282	8178		Hs.5881
	C	ST			ELL遺伝子 (11-19 リ
ジンリッチ 白血病遺伝子)					
1098		-0.708065	3.34404		-3.07452
	37318_at	X81625	2107		Hs.77324
	C	ST	T		真核生物翻訳終結
因子1					
1099		-0.565006	2.81018		-2.52991
	39201_r_at	W28760			
C		ST			
1100		-0.523437	5.06383		-3.99318
	34376_at	AB019517	11142		Hs.340
7	C	ST			"プロテインキナ
ーゼ(cAMP依存性, 触媒性)インヒビター γ "					
1101		-0.657659	5.33488		-4.39157
	34303_at	AL049949			
C		ST			
1102		-0.25774	2.82731		-2.17742
	40314_at	AJ002309	9143		Hs.6467
	C	ST			シナプトグリン 3
1103		-0.223569	3.36753		-2.43337
	32206_at	AB007920	9876		Hs.1858
6	C	ST			KIAA0451遺伝子産
物					
1104		-0.606156	4.34737		-3.66669
	37542_at	D86961	10184		Hs.79299
	C	ST	C		脂肪腫 HMGIC融合
パートナー様 2					

1105	-0.509305	4.23828	-3.43682
40260_g_at	AL009266	23543	Hs.5
011 C	ST	C	RNA 結合モチ
ーフタンパク質 9			
1105	-0.509305	4.23828	-3.43682
40260_g_at	AL009266	23543	Hs.5
011 C	ST	C	RNA 結合モチ
ーフタンパク質 9			
1106	-0.578072	3.69275	-3.21306
128_at	X82153	1513	Hs.83942
C	ST		カテプシンK (ピクノ
ディスオストーシス)			
1107	-0.111121	3.80848	-2.57825
32598_at	D83018	4753	Hs.79389
C	ST	C	NEL様 2 (トリ)
1108	-0.588067	3.49982	-3.16133
33305_at	M93056	1992	Hs.183583
C	ST	C	"セリン (または
システイン)プロテイナーゼインヒビター,クレード B (オボアルブミン), メンバー1"			
1109	-0.619471	5.25736	-4.30037
39759_at	AL031781	9444	Hs.1502
0 C	ST		マウス クエーキン
グ QKIのホモログ(KHドメイン RNA結合タンパク質)			
1110	-0.819856	5.93131	-5.05584
34793_s_at	M22299	5358	Hs.4114
C	ST		プラスチン 3 (T
アイソフォーム)			
1111	-0.488503	4.29236	-3.48585
39182_at	U87947	2014	Hs.9999
C	ST	C	上皮膜タンパク質3
1112	-0.168893	4.19705	-2.9255
39961_at	AB011138	10080	Hs.4469
7 C	ST		"ATPase, クラスV
,型 10C"			
1113	-0.431096	2.41226	-2.22897
38280_s_at	W28432		
C	ST		
1114	-0.632733	5.40335	-4.4512
1507_s_at	D11151	1909	Hs.76252
C	ST	C	エンドセリンレセ
プター型 A			
1115	-0.4494	3.80486	-3.14019
33862_at	AF017786	8613	Hs.173717
C	ST	C	ホスファチジン酸
ホスファターゼ型2B			
1116	-0.295434	3.01461	-2.3992
34714_at	AL050267	25939	Hs.2388
9 C	ST		"SAMドメインおよ
びHDドメイン,1"			
1117	-0.412431	2.97048	-2.56283

1891_at	D14497	1326	Hs.248
C	ST		マイトジェン活性化プ
ロテインキナーゼキナーゼキナーゼ8			
1118	-0.317087	4.18935	-3.17719
33137_at	Y13622	8425	Hs.85087
C	ST		潜在性形質転換成長
因子 β 結合タンパク質4			
1119	-0.337165	4.86952	-3.64366
36939_at	D49958	2823	Hs.75819
C	ST		糖タンパク質M6A
1120	-0.635327	3.8725	-3.49791
719_g_at	D87258	5654	Hs.75111
C	ST		"プロテアーゼ, セリ
ン, 11(IGF結合)"			
1121	-0.23118	3.71804	-2.74853
40348_s_at	W25866	81611	Hs.7133
1	C	ST	仮想タンパク質MG
C5350			
1122	-0.549288	5.3597	-4.31199
38183_at	U13219	2294	Hs.155591
C	ST	C	フォークヘッドボ
ックスF1			
1123	-0.148627	2.86683	-2.06736
33277_at	AB028996	8898	Hs.1813
26	C	ST	ミオチューブラ
リン関連タンパク質2			
1124	-0.353454	3.44435	-2.8
1441_s_at	X83492		C
ST			
1125	-0.334606	3.41051	-2.74331
40346_at	AB011146	23359	Hs.713
2	C	ST	KIAA0574タンパク
質			
1126	-0.281981	2.97122	-2.37527
39366_at	N36638	5507	Hs.303090
C	ST		"プロテインホスフ
ァターゼ1, 調節因子(インヒビター)サブユニット 3C"			
1127	-0.731757	4.31866	-3.97
35735_at	M55542	2633	Hs.62661
C	ST		"グアニル酸結合タンパ
ク質1, インターフェロン誘導性,67kD"			
1128	-0.801203	2.88461	-3.16423
40522_at	X59834	2752	Hs.170171
C	ST		グルタミン酸アン
モニアリガーゼ (グルタミンシンターゼ)			
1129	-0.316388	3.17349	-2.55051
36229_at	U58917	23765	Hs.12975
1	C	ST	インターロイキン
17レセプター			
1130	-0.295657	2.58822	-2.13998

	38621_at	AJ012008	23564	Hs.247
362	C	ST		ジメチルアルギ
ニン ジメチルアミノヒドロラーゼ 2				
1131	-0.528579		3.49495	-3.13681
	32249_at	M65292	3078	Hs.278568
	C	ST	C	H因子(補体)様 1
1132	-0.172715		2.56569	-1.94712
	38359_at	Y12336	10235	Hs.99491
	C	ST		RAS グアニル放出
タンパク質 2 (カルシウムおよびDAG調節性)				
1133	-0.204373		2.62304	-2.03382
	36990_at	X04741	7345	Hs.76118
	C	ST		ユビキチン カルボ
キシル末端 エステラーゼ L1 (ユビキチン チオールエステラーゼ)				
1134	-0.63943		5.73252	-4.75943
	36601_at	M33308	7414	Hs.75350
	C	ST	C	ピンクリン
1135	-0.565073		3.58077	-3.24458
	1848_at	M22995	5906	Hs.865
	C	ST	C	"RAP1A, RAS オンコジ
ーンファミリーのメンバー"				
1136	-0.590385		4.64291	-4.0078
	1182_at	D42108	5334	Hs.153322
	C	ST		"ホスホリパーゼ C,
ε "				
1137	-0.42028		3.86836	-3.2122
	31824_at	AL049699	112611	Hs.2677
1	C	ST		仮想タンパク質MG
C13523				
1138	-0.413758		2.82712	-2.52315
	38704_at	AB007934	23499	Hs.108
258	C	ST		アクチン架橋因
子				
1139	-0.610143		4.75069	-4.09337
	35842_at	AL049265		
	C	ST		
1140	-0.337395		4.44088	-3.44107
	1198_at	D13168	1910	Hs.82002
	C	ST		エンドセリンレセプ
ター型 B				
1141	-0.262204		3.80005	-2.90428
	40081_at	L26232	5360	Hs.283007
	C	ST	C	ホスホリピド転移
タンパク質				
1142	-0.482787		5.96577	-4.67448
	34959_at	M15059	2208	Hs.1416
	C	ST		"IgEのFcフラグメン
ト, 低親和性II, レセプター(CD23A)"				
1143	-0.430424		2.78816	-2.52314
	35832_at	AB029000	23213	Hs.708

23	C	ST		KIAA1077タンパ
ク質				
1144	0.0330665	3.90845	-2.55123	
	41107_at	AB002372	9751	Hs.3238
33	C	ST		シンタフィリン
1145	-0.121318	2.77824	-2.05382	
	37353_g_at	M60618	6672	Hs.7761
7	C	ST	C	核抗原 Sp100
1146	-0.189238	2.40836	-1.92298	
	35757_at	X67337	11052	Hs.64542
	C	ST		"切断およびポリア
デニル化特異因子6,68kDサブユニット"				
1147	-0.543392	5.73979	-4.74049	
	36073_at	U35139	4692	Hs.50130
	C	ST		ネクジンホモログ (
マウス)				
1148	-0.325578	4.03495	-3.23973	
	34216_at	AA478904	8609	Hs.2159
9	C	ST		Kruppel様因子7 (
偏在性)				
1149	-0.403851	4.65054	-3.79133	
	36749_at	M73720	1359	Hs.646
	C	ST		カルボキシペプチダー
ゼ A3 (s)				
1150	-0.220128	5.28458	-3.92342	
	35277_at	AB018305	10418	Hs.537
8	C	ST		"スポンジン 1, (
f-スポンジン) 細胞外マトリックスタンパク質"				
1151	-0.444972	3.00396	-2.76481	
	34350_at	X64838	6249	Hs.31638
	C	ST		レスチン (Reed-Ste
inberg 細胞発現中間体フィラメント関連タンパク質)				
1152	-0.369416	3.85178	-3.13312	
	38651_at	U60061	9637	Hs.103419
	C	ST		線維束収縮および
伸長タンパク質 2 (ジギン II)				
1153	-0.576143	5.08015	-4.28526	
	770_at	D00632	2878	Hs.336920
	C	ST		グルタチオン ペルオ
キシダーゼ 3 (血漿)				
1154	-0.343858	5.71326	-4.3201	
	37658_at	L13720	2621	Hs.78501
	C	ST	C	成長停止特異的 6
1155	-0.523983	5.29309	-4.34438	
	39123_s_at	X89066	7220	Hs.2506
87	C	ST	C	一過性レセプタ
ー電位チャネル 1				
1156	-0.226007	2.99166	-2.36246	
	35383_at	U88573	10230	Hs.32117
0	C	ST		NBR2

1157		0.0468973		2.65675		-1.68479
	33407_at		AI672098		22982	Hs.227
716	C		ST			KIAA0934タンパク質
1158		-0.285281		5.29431		-3.96292
	1034_at		U14394		7078	Hs.245188
	C		ST	C		"メタロプロテイナーゼ3の組織インヒビター(ソーズビー底ジストロフィー, 偽炎症性)"
1159		0.0460225		3.03483		-1.92364
	38051_at		X76220		4118	Hs.80395
	C		ST	C		"mal, T-細胞分化タンパク質"
1160		-0.329683		4.97435		-3.8412
	693_g_at		U02390		10486	Hs.296341
	C		ST			アデニルイルシクラーゼ関連タンパク質2
1161		-0.415639		4.22263		-3.48585
	36921_at		U02556		6990	Hs.75307
	C		ST			t-複合体関連-精巣発現 1様
1162		-0.499327		5.389		-4.39006
	40763_at		U85707		4211	Hs.170177
	C		ST	C		"Meis1, 骨髄 エクトロピックウイルス統合部位 1ホモログ (マウス)"
1163		-0.341592		3.34113		-2.77314
	32827_at		AI365215		22800	Hs.206
097	C		ST			関連RASウイルス (r-ras) オンコジーンホモログ2
1164		0.410724		3.8647		-3.39622
	40282_s_at		M84526		1675	Hs.155597
	C		ST			補体のD成分 (アジプシン)
1165		0.47661		3.08197		-2.40964
	1701_at		U86136		7011	Hs.232070
	C		ST			テロメララーゼ関連タンパク質 1
1166		0.263145		4.73045		-4.66981
	774_g_at		D10667		4629	Hs.78344
	C		ST	C		"ミオシン, 重ポリペプチド 11, 平滑筋"
1167		0.00486582		2.68838		-2.95883
	35804_at		AB022785		9070	Hs.685
6	C		ST			"ash2 (非存在, 小型, または異種再成)様(Drosophila)"
1168		0.320929		2.9184		-2.548
	31922_i_at		U60269			
C	ST					
1169		0.527897		5.34873		-4.80351
	35347_at		AF093119		30008	Hs.6059
	C		ST			EGF含有フィブリン

様 細胞外マトリックスタンパク質2

1170	0.416091	5.43094	-5.12832
33994_g_at	M22919	4637	Hs.77385
C	ST	C	"ミオシン, 軽ポ
リペプチド 6, アルカリ性, 平滑筋および非筋肉"			
1171	0.398873	4.65371	-4.30505
36569_at	X64559	7123	Hs.65424
C	ST		テトラネクチン(プ
ラスミノゲン結合タンパク質)			
1172	0.115208	2.53372	-2.57702
41476_at	N36926		
C	ST		
1173	0.181739	2.51352	-2.41333
35605_at	AL049653	10218	Hs.1465
59	C	ST	アンギオポエチ
ン様因子			
1174	0.541767	4.52944	-3.9084
39530_at	L35240	9260	Hs.102948
C	ST		エニグマ (LIMドメイ
ンタンパク質)			
1175	0.428115	5.79309	-5.56699
36791_g_at	M19267	7168	Hs.77899
C	ST	C	トロポミオシン1
(α)			
1176	0.327506	4.39353	-4.21733
41871_at	AI660929	10630	Hs.1351
50	C	ST	肺型-I 細胞膜関
連糖タンパク質			
1177	0.254988	2.91838	-2.73224
35977_at	AB020315	22943	Hs.4049
9	C	ST	ディックコフホモ
ログ 1 (アフリカツメガエル)			
1178	0.630172	5.52372	-4.89174
40182_s_at	AF055027	10498	Hs.14
3696	C	ST	活性化補助因
子関連アルギニンメチルトランスフェラーゼ-1			
1179	0.339041	4.45246	-4.28337
35837_at	AJ224677	11341	Hs.7122
C	ST		スクラピー 応答性
タンパク質 1			
1180	0.491711	2.63586	-1.91826
32888_at	X52213	4058	Hs.210
C	ST		白血球チロシンキナー
ゼ			
1181	0.614139	6.01152	-5.46695
34445_at	AB007940	9910	Hs.24227
1	C	ST	KIAA0471遺伝子産
物			
1182	0.416719	5.3418	-5.12648
39243_s_at	U94319	11168	Hs.82110

	C	ST	C	PC4およびSFRS1相
相互作用タンパク質2				
1183	0.235321		3.63503	-3.59107
33943_at		L20941	2495	Hs.62954
C		ST		"フェリチン, 重ポリ
ペプチド1"				
1184	0.469556		3.25283	-2.68066
40449_at		L23320	5981	Hs.166563
C		ST		複製因子C (活性化
因子 1) 1(145kD)				
1185	0.350736		2.68228	-2.30049
37869_at		AB029004	23085	Hs.2937
05 C		ST		ELKSタンパク質
1186	0.395653		5.31419	-4.79894
39271_at		AA461365	53916	Hs.2797
71 C		ST		"RAB4B, メンバ
ーRASオンコジーンファミリー"				
1187	0.358601		4.68902	-4.20644
38410_at		X72964	1069	Hs.82794
C		ST	C	"セントリン, EF-ha
ndタンパク質,2"				
1188	0.263361		4.62475	-4.35139
40728_at		AF020774	245	Hs.88844
C		ST		アラキドン酸 12-リ
ポキシゲナーゼ 偽遺伝子 2				
1189	0.326245		3.55244	-3.08877
37710_at		L08895	4208	Hs.78995
C		ST	C	"MADSボックス 転写
エンハンサー因子2, ポリペプチド C (筋細胞エンハンサー因子2C)"				
1190	0.344266		2.53203	-1.97236
38829_r_at		AA628946	8570	Hs.911
42 C		ST		KH型スプライシ
ング抑制タンパク質(FUSE 結合タンパク質2)				
1191	0.445613		5.85355	-5.29722
39063_at		J00073	70	Hs.118127
C		ST		"アクチン, α, 心筋"
1192	0.439423		4.01185	-3.35022
34155_s_at		M63241	7300	
C		ST		チロシナーゼ様
1193	0.402867		3.47356	-2.8726
37401_g_at		J03068	327	Hs.78223
C		ST		N-アシルアミノアシ
ル-ペプチドヒドロラーゼ				
1194	0.346309		3.88609	-3.45253
39049_at		AJ243937	63940	Hs.2883
16 C		ST		染色体 6 オープ
ンリーディングフレーム9				
1195	0.109611		4.3293	-4.42064
35783_at		H93123	9341	Hs.66708
C		ST	C	小胞関連膜タンパク

質 3(cellubrevin)

1196	0.32843	3.12468	-2.6736
40879_at	AB014599	23299	Hs.330988
C	ST		KIAA0699タンパク
質			
1197	0.478463	3.9248	-3.22297
34818_at	X96381	2119	Hs.43697
C	ST	C	ets改変体遺伝子 5 (
ets関連分子)			
1198	-0.00780694	4.05802	-4.37606
41745_at	X57352	10410	Hs.182
C	ST		インターフェロ
241			
ン誘導性膜貫通タンパク質 3 (1-8U)			
1199	0.415595	3.32462	-2.7105
33391_r_at	S57235	968	Hs.246381
C	ST		CD68抗原
1200	0.400107	3.33655	-2.74285
37924_g_at	AA846749	55937	Hs.24
C	ST		アポリポタン
7129			
パク質M			
1201	0.253753	4.69097	-4.50232
32749_s_at	AL050396	2316	Hs.195
C	ST	C	"フィラミンA,
464			
α (アクチン結合タンパク質280)"			
1202	0.134354	4.22677	-4.25059
38315_at	AB015228	8854	Hs.95197
C	ST	C	"アルデヒドデヒ
ドロゲナーゼ1ファミリー,メンバーA2"			
1203	0.466868	3.40533	-2.68122
33596_at	AJ001454	50859	Hs.1594
C	ST		テストカン 3
25			
1204	0.254359	3.06648	-2.78258
457_s_at	U67122	7341	Hs.81424
C	ST	T	ユビキチン様 1 (セ
ントリン)			
1204	0.254359	3.06648	-2.78258
457_s_at	U67122	7341	Hs.81424
C	ST	C	ユビキチン様 1 (セ
ントリン)			
1205	0.390059	4.20278	-3.71296
36348_r_at	AA873858	8341	Hs.154
C	ST		"H2Bヒストンフ
ファミリー,メンバーD"			
1206	0.161006	2.46287	-2.32043
40073_at	AB002389	9692	Hs.15466
C	ST		KIAA0391遺伝子産
8			
物			
1207	0.621838	4.15067	-3.20992
36533_at	D83402	5740	Hs.302085
C	ST		プロスタグランジン

12 (プロスタサイクリン) シンターゼ					
1208	0.407243	3.94396	-3.42619		
	32577_s_at	L38933	29893	Hs.2790	
32	C	ST	"GT198, 完全ORF		
"					
1209	0.327493	3.65944	-3.2817		
	33641_g_at	Y14768	199	Hs.76364	
	C	ST	同種移植片炎症性因		
子 1					
1210	-0.111194	2.05794	-2.46005		
	34887_at	N92548	5962	Hs.263671	
	C	ST	C	ラディキシシ	
1211	0.263591	2.63756	-2.3237		
	39788_at	X81889	8502	Hs.152151	
	C	ST	プラコフィリン 4		
1212	0.387441	3.50634	-3.02966		
	34277_at	AB018195	770	Hs.22777	
	C	ST	炭酸脱水酵素XI		
1213	0.290346	2.75879	-2.40849		
	31716_at	L11369	5097	Hs.79769	
	C	ST	T	プロトカドヘリン 1	
(カドヘリン様1)					
1214	0.515865	2.46453	-1.61493		
	35044_i_at	M97016	656	Hs.99948	
	C	ST	骨形成タンパク質 8		
(骨原性タンパク質2)					
1215	0.247101	3.0512	-2.61193		
	1527_s_at	U50527	90634	Hs.22174	
	C	ST	C	仮想遺伝子 CG018	
1216	0.270637	4.3303	-3.87136		
	685_f_at	K03460	7277	Hs.75318	
	C	ST	"チューブリン, α 1 (		
精巣特異的)"					
1217	0.285793	3.59108	-3.08559		
	38769_at	AF023477	8038	Hs.8850	
	C	ST	ジスインテグリンお		
よびメタロプロテイナーゼドメイン 12 (メルトリン α)					
1218	0.439214	3.49647	-2.67244		
	40524_at	X79510	11099	Hs.155693	
	C	ST	"タンパク質チロシ		
ンホスファターゼ, 非レセプター型 21"					
1219	0.122374	2.69768	-2.50064		
	38625_g_at	AF054506	6560	Hs.100	
94	C	ST	"溶質キャリアフ		
ァミリー12 (カリウム/塩素トランスポーター), メンバー4"					
1220	0.454513	3.05799	-2.18092		
	39241_at	M33987	759	Hs.23118	
	C	ST	炭酸脱水酵素I		
1221	0.19045	5.05791	-4.75226		
	41207_at	AF043897	23733	Hs.18075	

	C	ST	C	染色体 9 オープ
ンリーディングフレーム3				
1222	-0.0569088		3.67089	-3.83929
	40832_s_at	AL050126		26092 Hs.
234265	C	ST	C	DKFZP586G0
11タンパク質				
1223	0.311364		2.43786	-1.86782
	528_at	U15590	8988	Hs.41707
	C	ST		ヒートショック 27kDタ
ンパク質 3				
1224	0.187987		4.27376	-4.00026
	38669_at	D86959	9748	Hs.105751
	C	ST		Ste20関連セリン/ス
レオニンキナーゼ				
1225	0.127023		2.81191	-2.62585
	35016_at	M13560		
C	ST			
1226	0.209394		6.00415	-5.74754
	41191_at	AB023209	23022	Hs.1944
31	C	ST		パラジン
1227	0.35234		3.52186	-2.90151
	35459_at	AF030107	6003	Hs.17165
	C	ST		Gタンパク質シグナ
ル伝達の調節因子13				
1228	0.406484		5.01968	-4.3449
	37633_s_at	J04129	5047	Hs.82269
	C	ST		"プロゲスタゲン関
連子宮内膜タンパク質 (胎盤タンパク質 14, 妊娠関連 子宮内 α-2-グロブリン, α 子宮				
タンパク質)"				
1229	0.446199		4.34221	-3.56634
	32798_at	AF043105	2947	Hs.2006
	C	ST	C	グルタチオン S-ト
ランスフェラーゼM3 (脳)				
1230	0.287557		5.38352	-4.96882
	34870_at	AB014513	11155	Hs.4999
8	C	ST		LIMドメイン結合
3				
1231	0.451001		5.281	-4.52788
	34219_at	L34838	3641	Hs.21666
	C	ST		インスリン様 4 (胎盤)
1232	0.518142		5.94825	-5.09938
	32109_at	AA524547	5348	Hs.16031
8	C	ST		FXVDドメイン含有
イオン輸送調節因子1 (ホスホレマン)				
1233	0.431824		3.65656	-2.89765
	36375_at	X74614	4956	Hs.159274
	C	ST		精子尾部の外側緻密
組織 1				
1234	0.393558		3.04817	-2.34846
	34630_s_at	AB002355	1770	Hs.284

259	C	ST		"ダイニン, 軸
糸, 重ポリペプチド9"				
1235	0.155815	2.70678	-2.4799	
35310_at	D45288			
C	ST			
1236	0.634729	3.56484	-2.44081	
34681_at	AB002329	9723	Hs.21241	
4	C	ST		"セマドメイン,
免疫グロブリンドメイン(Ig), 短塩基性ドメイン, 分泌, (セマホリン) 3E"				
1237	0.288635	2.53843	-2.06671	
40704_at	Z29090	5290	Hs.85701	
C	ST			"ホスホイノシチド-3
-キナーゼ, 触媒性, αポリペプチド"				
1238	0.318874	5.71986	-5.2761	
36149_at	D78014	1809	Hs.74566	
C	ST			ジヒドロピリミジナー
ゼ様 3				
1239	0.48625	5.44867	-4.65953	
31797_at	AL035699			
C	ST			
1240	0.222683	4.29999	-4.02831	
35164_at	AF084481	7466	Hs.26077	
C	ST	C		Wolfram症候群 1
(ウォルフラミン)				
1241	0.30937	2.52656	-2.00521	
39387_at	U34044	22929	Hs.124027	
C	ST			セレノホスフェート
シンテターゼ ; ヒトセレンドナータンパク質				
1242	0.424122	3.65315	-2.92985	
32970_f_at	U77327	22927	Hs.3018	
39	C	ST		細胞内ヒアルロ
ナン結合タンパク質				
1243	0.260195	2.5424	-2.11094	
33185_at	AB018304	23155	Hs.93121	
C	ST			Mid-1関連クロライ
ドチャネル 1				
1244	0.283226	3.46617	-3.02861	
33964_at	U66582	1420	Hs.72910	
C	ST			"クリスタリン, γ C
"				
1245	0.230782	3.09377	-2.74939	
1826_at	M12174	388	Hs.204354	
C	ST	C		"rasホモログ遺伝子
ファミリー, メンバーB"				
1246	0.331697	4.58184	-3.93214	
40024_at	D86640	6769	Hs.56045	
C	ST			srcホモロジー 3 (SH
3)およびシステインリッチドメイン				
1247	0.217468	3.00034	-2.56992	
32101_at	AA112483	2588	Hs.15947	

9	C	ST		"ガラクトサミン(
	N-アセチル)-6-硫酸塩スルファターゼ(Morquio症候群, ムコ多糖類 IV型A)"			
1248	0.256424	4.51843		-4.01516
	34428_at	D50312	3764	Hs.102308
	C	ST		"カリウム内部整流
	チャンネル, サブファミリーJ, メンバー8"			
1249	-0.123433	2.38601		-2.63787
	36845_at	D50926	23515	Hs.70359
	C	ST		KIAA0136タンパク
質				
1250	0.25911	5.72059		-5.24975
	33303_at	N21470	8082	Hs.183428
	C	ST		サルコspan (Kras
	オンコジーン関連遺伝子)			
1251	0.198698	5.54762		-5.18199
	37630_at	AL049176	57803	
	C	ST		コーディン様
1252	0.43812	3.82606		-2.96718
	40730_at	U48263	5368	Hs.89040
	C	ST		プレプロノシセプチン
1253	0.189026	5.1173		-4.69461
	31671_at	D82351	5937	Hs.241567
	C	ST	C	"RNA結合モチーフ,
	一本鎖相互作用タンパク質1"			
1254	0.306206	4.3889		-3.73481
	32709_at	L39833	7881	Hs.172471
	C	ST	C	"カリウム電位型チ
	ヤネル, シェーカー関連サブファミリー, β メンバー 1"			
1255	0.511831	5.06406		-4.03969
	36245_at	X77307	3357	Hs.2507
	C	ST		5-ヒドロキシトリプタ
	ミン (セロトニン)レセプター2B			
1256	0.313335	4.71127		-4.07894
	32507_at	AW043925	23216	Hs.2785
86	C	ST		"TBC1 (tre-2/US
	P6, BUB2,cdc16)ドメインファミリー, メンバー1"			
1257	0.260185	4.63937		-4.11006
	33545_at	M81758	6329	Hs.46038
	C	ST		"ナトリウムチャンネル
	, 電位型, IV型, α ポリペプチド"			
1258	-0.030416	3.57788		-3.63257
	33700_at	AF039843	10253	Hs.186
76	C	ST		スプロウティホ
	モログ 2(Drosophila)			
1259	0.290554	4.39729		-3.80209
	41536_at	AL022726	3400	Hs.34853
	C	ST	C	"DNA結合のインヒ
	ビター 4, ドミナントネガティブヘリックス-ループ-ヘリックスタンパク質"			
1260	0.0556413	4.11421		-3.98599
	38350_f_at	AF005392	7278	Hs.34

9695	C	ST		"チューブリン
, α 2"				
1261	0.356368		4.66172	-3.9324
31575_f_at		M14087		
C	ST			
1262	0.343216		4.49528	-3.79323
39007_at		M55593	4313	Hs.111301
C	ST			"マトリックスメタ
ロプロテイナーゼ2(ゼラチナーゼ A, 72kD		ゼラチナーゼ, 72kD	IV型	コラゲナーゼ)"
1263	0.135897		4.21406	-3.91727
39330_s_at		M95178	87	Hs.119000
C	ST			"アクチニン, α 1"
1264	0.253692		3.30934	-2.78649
38176_at		AF017656	10681	Hs.1550
90	C	ST		"グアニンヌクレ
オチド結合タンパク質(Gタンパク質), β 5"				
1265	0.165668		5.36772	-4.93968
36790_at		M19267	7168	Hs.77899
C	ST	C		トロポミオシン1 (
α)				
1266	0.0237612		2.88776	-2.78927
38584_at		AF026939	3437	Hs.1818
74	C	ST		テトラトリコペ
プチドリピートを含むインターフェロン誘導タンパク質 4				
1267	0.382691		3.44842	-2.64145
36742_at		U34249	89870	Hs.337461
C	ST			3部のモチーフ含有
15				
1268	0.0982905		5.1219	-4.84876
39388_at		AA902713		
C	ST			
1269	0.452737		4.20601	-3.24488
385_at		X71874	1506	Hs.150601
C	ST			キモトリプシン様
1270	0.109188		3.25213	-2.93855
40147_at		U18009	10493	Hs.157236
C	ST			コリン作用性シナ
プス小胞の膜タンパク質				
1271	0.197044		3.63552	-3.13104
32680_at		AB011123	23043	Hs.1702
04	C	ST		KIAA0551タンパ
ク質				
1272	0.191833		3.53751	-3.04695
31479_f_at		J00146	1720	Hs.16923
5	C	ST		ジヒドロ葉酸レダ
クターゼ 偽遺伝子1				
1273	0.279468		2.54461	-1.92163
36937_s_at		U90878	9124	Hs.75807
C	ST			PDZおよびLIMドメ
イン 1 (エルフィン)				

1274	0.368498	3.82925	-3.00079
37996_s_at	L08835	1760	Hs.898
C	ST		筋緊張性ジストロフ
ィー-プロテインキナーゼ			
1275	0.252417	3.18369	-2.59917
196_s_at	U28015	838	Hs.3257
C	ST		"カスパーゼ 5, アポト
ーシス関連システインプロテアーゼ"			
1276	0.0418039	2.69557	-2.54076
32035_at	M16942	3126	Hs.318720
C	ST		"主要組織適合性複
合体, クラスII, DR β 4"			
1277	0.30967	4.4675	-3.74867
37743_at	U60060	9638	Hs.79226
C	ST	C	線維束収縮および伸長
タンパク質 ζ 1(ジギン I)			
1278	0.281952	3.82279	-3.17754
39301_at	X85030	825	Hs.40300
C	ST		"カルパイン3, (p94)
"			
1279	0.252192	6.31355	-5.67398
37265_at	D87074	9783	Hs.78748
C	ST		KIAA0237遺伝子産物
1280	-0.0486674	3.81386	-3.82622
41221_at	J04173	5223	Hs.18101
3	C	ST	T
ン酸ムターゼ 1(脳)			ホスホグリセリ
1281	0.323431	3.03704	-2.00111
36416_g_at	AI688589	8573	Hs.151
469	C	ST	カルシウム/カ
ルモジュリン依存性 セリンプロテインキナーゼ(MAGUKファミリー)			
1282	-0.47289	2.39808	-2.93721
41471_at	W72424	6280	Hs.112405
C	ST		S100カルシウム結合
タンパク質A9 (カルグラニューリンB)			
1283	-0.0818887	2.61164	-2.39205
1593_at	J04513	2247	Hs.284244
C	ST	C	線維芽細胞成長因
子 2(basic)			
1284	-0.127401	3.67785	-3.39248
37676_at	AF056490	5151	Hs.7874
6	C	ST	ホスホジエステラ
ーゼ8A			
1285	0.093009	2.87605	-2.29462
37223_at	U31116	6443	Hs.77501
C	ST	C	"サルコグリカン,
β (43kD ジストロフィン関連糖タンパク質)"			
1286	-0.135185	4.89873	-4.47148
33756_at	U39447	8639	Hs.198241
C	ST	C	"アミノオキシダ

ーゼ, 銅含有 3(血管接着タンパク質 1)"

1287	-0.16039	4.45102	-4.12684
39714_at	AF042081	6451	Hs.14368
C	ST		SH3ドメイン結合
グルタミン酸リッチタンパク質様			
1288	-0.0532136	2.95927	-2.64291
34409_at	AL080164	26020	Hs.38
04	C	ST	DKFZP564C1940タ
ンパク質			
1289	-0.126478	3.56756	-3.262
41124_r_at	L35594	5168	Hs.174185
C	ST	C	エクトヌクレオチ
ド ピロホスファターゼ/ホスホジエステラーゼ2 (オータキシン)			
1290	0.016591	2.56633	-2.15086
1378_g_at	M58603	4790	Hs.83428
C	ST	C	B細胞中のκ軽ポリ
ペプチド遺伝子エンハンサー核因子 1 (p105)			
1291	-0.077361	5.80049	-5.1018
32542_at	AF063002	2273	Hs.23906
9	C	ST	C
メイン 1			
1292	-0.0742626	3.56574	-3.18499
33408_at	AB023151	22982	Hs.22
7716	C	ST	KIAA0934タン
パク質			
1293	-0.146442	3.16682	-2.97776
33340_at	AB007898	9867	Hs.2798
49	C	ST	C
産物			
1294	0.0538419	4.86988	-4.05482
32281_at	AF070549		
C	ST		
1295	0.157761	4.63792	-3.65891
36152_at	X79353	2664	Hs.74576
C	ST		GDP解離インヒビター
1			
1296	-0.140159	2.95309	-2.77518
35792_at	U67963	11343	Hs.6721
C	ST		モノグリセリドリパ
ーゼ			
1297	0.0204952	4.66918	-3.85312
37384_at	D13640	9647	Hs.278441
C	ST		KIAA0015遺伝子産
物			
1298	-0.204413	4.61865	-4.22434
40041_at	AF017790	10403	Hs.581
69	C	ST	C
"癌において高			
度に発現する, ロイシン7リピート中でリッチ"			
1299	-0.118718	3.11044	-2.81402
39648_at	AB015594	8800	Hs.3103

4	C	ST			ペルオキシソーム
生物発生因子11A					
1300	0.0814819	5.92325	-4.80099		
32998_at	L19315	886	Hs.129		
C	ST		コレシストキニン Aレ		
セプター					
1301	0.070577	2.69351	-2.12185		
37953_s_at	U78181	41	Hs.274361		
C	ST		"アミロイド感受性		
カチオンチャネル2, ニューロン"					
1302	-0.341272	2.72308	-2.91855		
38118_at	U73377	6464	Hs.81972		
C	ST		SHC (Srcホモロジー		
2ドメイン含有)形質転換タンパク質1					
1303	0.113827	4.66334	-3.70642		
31886_at	X55740	4907	Hs.153952		
C	ST	C	5'ヌクレオチダー		
ゼ (CD73)					
1304	0.0627313	6.17066	-5.06678		
40683_at	L76687	2888	Hs.83070		
C	ST		成長因子レセプター		
結合タンパク質14					
1305	0.15168	4.09444	-3.1598		
34569_at	U23752	6664	Hs.32964		
C	ST		SRY (性決定領域Y) ボッ		
クス 11					
1306	-0.262898	5.66985	-5.23742		
36577_at	Z24725	10979	Hs.75260		
C	ST	C	マイトジェン誘導		
性 2					
1307	0.259299	2.59803	-1.69873		
32286_at	AF012131	6899	Hs.17398		
4	C	ST	Tボックス 1		
1308	0.199584	4.2135	-3.18396		
33686_at	AA812696	10816	"セリンプロテアーゼインヒ		
C	ST				
ピター, Kunitz型, 3"					
1309	0.0506743	3.89049	-3.18666		
41837_at	AA149431	56967	Hs.643		
4	C	ST	仮想タンパク質DK		
FZp761F2014					
1310	-0.0739584	4.68202	-4.07948		
41288_at	AL036744				
C	ST				
1311	-0.155532	3.53233	-3.26238		
33351_at	AF064607	10289	Hs.217		
56	C	ST	翻訳因子suilホ		
モログ					
1312	0.188345	2.45154	-1.72651		
40326_at	M58583	869	Hs.662		

	C	ST	T		セレベリン 1 前駆体
1313		0.223494	2.80169		-1.95242
	38343_at		AB002326	23147	
	C	ST		KIAA0328	タンパク質
1314		-0.00958766	4.30778		-3.65716
	37408_at		AB014609	9902	Hs.78
35	C	ST			細胞内レセプター
	(マクロファージマンノースレセプターファミリー)				
1315		0.116109	3.55756		-2.79155
	39588_at		AF055872	8742	Hs.26401
	C	ST			"腫瘍壊死因子 (リ
	ガンド)スーパーファミリー,メンバー12"				
1316		-0.0285399	2.98039		-2.47324
	38707_r_at		S75174	1874	Hs.108
371	C	ST			"E2F 転写因子4
	, p107/p130結合"				
1317		-0.205272	3.32028		-3.07357
	36139_at		AL050289	10757	
	C	ST			染色体 6 オープンリーデ
	ィングフレーム5				
1318		-0.0133411	2.54477		-2.09448
	1788_s_at		U48807	1846	Hs.2359
	C	ST			二重特異性ホスフ
	ァターゼ4				
1319		0.0494811	4.22239		-3.35053
	36521_at		AB023213	22873	Hs.601
77	C	ST			ジンクフィンガ
	ータンパク質DZIP1				
1320		-0.064857	3.75925		-3.17854
	41601_at		AA142964	6868	Hs.6431
1	C	ST			"ディスインテグ
	リンおよびメタロプロテイナーゼドメイン 17 (腫瘍壊死因子, α, 変換酵素)"				
1321		0.0472281	4.3669		-3.51985
	35692_at		AL080235	25907	Hs.3586
1	C	ST			Ras誘導性老化 1
1322		0.106527	2.50134		-1.86893
	39229_at		W27883	9147	Hs.54900
	C	ST			血清学的に規定され
	た結腸癌高原 1				
1323		-0.22885	2.97479		-2.88654
	548_s_at		S80267	6850	Hs.74101
	C	ST			脾臓チロシンキナー
	ゼ				
1324		-0.279839	3.96129		-3.78962
	34306_at		AB007888	4154	Hs.2857
8	C	ST	C		muscleblind様 (
	Drosophila)				
1325		-0.00235205	3.43237		-2.84632
	33452_at		M15518	5327	Hs.2744
04	C	ST			"プラスミノーゲ

ン活性化因子,tissue"

1326	-0.129021	3.88149	-3.41034
39456_at	AF090100		
C	ST		
1327	-0.257239	3.84607	-3.63403
174_s_at	U61167		
C	ST		
1328	-0.230945	4.39723	-4.03558
35333_r_at	AB024518	90865	Hs.3
48390	C	ST	DVS27関連タ
ンパク質			
1329	-0.045834	6.48712	-5.41849
160029_at	X07109	5579	Hs.77202
C	ST	C	"プロテインキナ
ーゼC, β 1"			
1330	-0.0149161	2.62089	-2.18236
37500_at	D50419	7728	Hs.11901
4	C	ST	ジンクフィンガー
タンパク質175			
1331	0.135189	3.13861	-2.32701
33898_at	AF015308	10445	Hs.2531
3	C	ST	C
タンパク質 1			ミクロスフェア
1332	-0.147657	5.82441	-5.04791
1879_at	M14949	6237	Hs.9651
C	ST		関連RASウイルス(r-ra
s) オンコジーンホモログ			
1333	-0.261371	4.54916	-4.21029
36536_at	AF070614	29970	Hs.614
90	C	ST	シュワンノミン
相互作用タンパク質1			
1334	-0.260311	6.29295	-5.47513
39099_at	X97064	10484	Hs.27292
7	C	ST	C
(S.cerevisiae)			Sec23ホモログ A
1335	-0.00276552	3.62294	-2.88314
32902_at	U28281	6344	Hs.2199
C	ST		セクレチンレセプ
ター			
1336	0.0754855	3.32389	-2.50111
34413_at	AF038203	81565	Hs.385
0	C	ST	LIS1相互作用タン
パク質NUDEL; エンドオリゴペプチダーゼ A			
1337	0.0882296	3.34745	-2.51469
743_at	D50370	4675	Hs.21365
C	ST		ヌクレオソーム組立タ
ンパク質 1様 3			
1338	0.0811132	2.86802	-2.14543
32399_at	S82592	2122	Hs.287359
C	ST		エコトロピックウ

イルス統合部位 1

1339		-0.160136		2.98583		-2.67862
	40310_at		AF051152		7097	Hs.6366
8	C		ST			toll様レセプター
2						
1340		-0.137553		2.75703		-2.4527
	41734_at		AB020677		22898	Hs.1816
6	C		ST			KIAA0870タンパク
質						
1341		0.0262869		5.60273		-4.44454
	33758_f_at		U25988		5680	Hs.3755
67	C		ST			妊娠特異的 β -1-
糖タンパク質11						
1342		0.125444		3.31824		-2.43921
	31483_g_at		L14813		1057	Hs.16927
1	C		ST			カルボキシルエス
テルリパーゼ様 (胆汁酸塩刺激リパーゼ様)						
1343		-0.20663		4.08996		-3.68036
	34843_at		AL044599		9658	Hs.48450
	C		ST	C		KIAA0222遺伝子産
物						
1344		-0.286809		3.37306		-3.25063
	36678_at		D21261		8407	Hs.75725
	C		ST	C		トランスゲリン 2
1345		0.024929		4.35054		-3.45819
	AFFX-HSAC07/X00351_5_at			X00351		60
	Hs.288061	C		ST		"アク
チン, β "						
1346		-0.0339872		4.92275		-4.02194
	38526_at		U02882		5144	Hs.17208
1	C		ST	C		"ホスホジエステ
ラーゼ4D,cAMP特異的 (ホスホジエステラーゼE3 ダンスホモログ, Drosophila)"						
1347		-0.218288		3.29898		-3.0484
	483_g_at		U59289		1012	Hs.63984
	C		ST			"カドヘリン 13, H-
カドヘリン(heart)"						
1348		0.0608517		3.78613		-2.94263
	38205_at		AB021742		4761	Hs.3224
31	C		ST			神経原性分化 2
1349		-0.159937		2.93124		-2.65524
	39026_r_at		AF052114		55384	Hs.1
12844	C		ST	C		母性発現 3
1350		0.020632		5.60763		-4.97136
	41273_at		AL046940			
C			ST			
1351		0.158965		4.0167		-3.2897
	35396_at		U54804		3037	Hs.159226
	C		ST			ヒアルロナンシンター
ゼ 2						
1352		-0.00881018		4.58152		-4.11723

	35282_r_at	M33680	975	Hs.544
57	C	ST	C	CD81抗原 (抗増殖性抗体の標的1)
1353	-0.20245	4.81591	-4.70166	
	40488_at	M18533	1756	Hs.169470
	C	ST		"ジストロフィン (筋ジストロフィ,DuchenneおよびBecker型), DXS142, DXS164, DXS206, DXS230, DXS239, DXS268,DXS269, DXS270, DXS272が挙げられる"
1354	0.200284	4.26489	-3.44102	
	38786_at	AL079279		
	C	ST		
1355	-0.299669	3.42595	-3.63725	
	1456_s_at	M63838	3428	Hs.15553
0	C	ST	C	"インターフェロン, γ誘導タンパク質16"
1356	-0.148903	5.01707	-4.8527	
	36159_s_at	U29185	5621	Hs.74621
	C	ST	C	"プリオンタンパク質(p27-30) (Creutzfeld-Jako病, Gerstmann-Strausler-Scheinker症候群, 致死性家族性不眠症)"
1357	0.226292	4.13603	-3.33107	
	35204_at	U52840	9037	Hs.27621
	C	ST		"セマドメイン, 7つのトロンボスポンジンリピート (1型および1型 様), 膜貫通ドメイン (TM)および短い細胞質ドメイン, (セマホリン)5A"
1358	-0.0785587	3.83524	-3.63015	
	1433_g_at	U68019	4088	Hs.2882
61	C	ST		"MAD, decapentaplegicホモログ 3に対する母体 (Drosophila)"
1359	0.0585864	2.66135	-2.30106	
	37371_at	M81780	6609	Hs.77813
	C	ST	T	"スフィンゴミエリンホスホジエステラーゼ1, 酸リソソーム (酸スフィンゴミエリナーゼ)"
1360	-0.153687	4.08473	-3.96464	
	36627_at	X86693	8404	Hs.75445
	C	ST	C	"SPARC様 1 (マスト9, ヘピン)"
1361	-0.0416947	5.00572	-4.58384	
	41137_at	AB007972	4660	Hs.130
760	C	ST	C	"プロテインホスファターゼ1, 調節因子(インヒビター)サブユニット 12B"
1362	-0.0101347	2.4761	-2.24711	
	31682_s_at	D32039	1462	Hs.8180
0	C	ST		コンドロイチン硫酸プロテオグリカン2 (versican)
1363	-0.187182	2.53059	-2.64331	
	40146_at	AL080212	5908	Hs.1567
64	C	ST	C	"RAP1B, RASオンコジーンファミリーのメンバー"
1364	-0.0625709	4.80385	-4.46402	

	38734_at	M63603	5350	Hs.85050
	C	ST	C	ホスホランバン
1365	-0.124079		4.61001	-4.40416
	38049_g_at	D84110	11030	Hs.802
48	C	ST	C	複数のスプライ
	シングを有するRNA-結合タンパク質遺伝子			
1366	-0.12032		3.58471	-3.46466
	39329_at	X15804	87	Hs.119000
	C	ST		"アクチニン, α 1"
1367	0.135157		2.83106	-2.29893
	32335_r_at	AB009010	7316	Hs.183
704	C	ST		ユビキチン C
1368	-0.123394		5.47192	-5.16799
	339_at	AF035752	858	Hs.139851
	C	ST	C	カベオリン 2
1369	-0.149424		3.30914	-3.2689
	1394_at	L25080	387	Hs.77273
	C	ST	C	"rasホモログ遺伝子フ
	ァミリー, メンバーA"			
1370	-0.0442532		3.78569	-3.42805
	37995_s_at	M67468	2332	Hs.897
64	C	ST		脆弱X精神遅滞 1
1371	0.161204		5.08958	-4.18845
	36369_at	AF000421	22939	Hs.2975
9	C	ST	C	ポリメラーゼ I
	および転写物放出因子			
1372	-0.0113732		4.1411	-3.67484
	36808_at	AF001846	26191	Hs.878
60	C	ST		"タンパク質チロ
	シンホスファターゼ, 非レセプター型 22 (リンパ系)"			
1373	-0.110231		4.75682	-4.42565
	33362_at	AF094521	10602	Hs.260
024	C	ST		Cdc42エフェク
	タータンパク質 3			
1374	-0.168211		2.79166	-2.79257
	35318_at	AB007944	9917	Hs.5737
	C	ST		KIAA0475遺伝子産
	物			
1375	0.0428238		3.29878	-2.8465
	32673_at	U90543	11120	Hs.169963
	C	ST		"ブチロフィリン,
	サブファミリー2, メンバーA1"			
1376	0.283051		3.95653	-2.97591
	38634_at	M11433	5947	Hs.101850
	C	ST	C	"レチノール結合タ
	ンパク質1, 細胞性"			
1377	0.0166195		2.49148	-2.17851
	38225_at	AF052728	3757	Hs.1880
21	C	ST	C	"カリウム電位
	型チャネル, サブファミリーH(eag関連), メンバー2"			

1378	0.302098	3.13053	-2.19973
33527_at	U39196	3760	Hs.37169
C	ST		"カリウム内部整流チ
ャネル, サブファミリーJ, メンバー3"			
1379	-0.193585	3.39181	-3.3697
39429_at	X99050	7405	Hs.13137
C	ST		UV照射耐性関連遺伝
子			
1380	0.196301	4.77703	-3.85794
41144_g_at	U12022	801	Hs.177656
C	ST		"カルモジュリン1
(ホスホリラーゼキナーゼ, δ)"			
1381	-0.048678	4.69246	-4.24633
35740_at	AL050138	11117	Hs.633
C	ST		エラスチンミク
48			
ロフィブリル界面局在タンパク質			
1382	-0.0658283	3.78472	-3.4756
846_s_at	U16811	578	Hs.93213
C	ST		BCL2アンタゴニスト /
キラー 1			
1383	-1.05116E-05	2.59727	-2.29985
1925_at	Z36714	899	Hs.1973
C	ST		サイクリン F
1384	0.046961	4.09865	-3.56205
1403_s_at	M21121	6352	Hs.241392
C	ST		小型誘導性サイト
カイン A5(RANTES)			
1385	0.0403671	3.77568	-3.28211
32923_r_at	M58378	6853	Hs.2259
C	ST		シナプシン I
36			
1386	0.0337552	5.76671	-5.05752
41742_s_at	AF061034	10133	Hs.2
C	ST		ロイシンジッ
78898			
パードメインを含む腫瘍壊死因子 α 誘導性細胞タンパク質 ; ハンチンチン相互作用タン			
パク質L; 転写因子IIIA相互作用タンパク質			
1387	-0.00118295	3.07669	-2.73629
36589_at	X15414	231	Hs.75313
C	ST		"アルド-ケトレダ
クターゼファミリー1, メンバーB1 (アルドースレダクターゼ)"			
1388	-0.0421053	2.7165	-2.4408
40698_at	X96719	9976	Hs.85201
C	ST		"C型(カルシウム依存
性, 炭水化物認識ドメイン)レクチン, スーパーファミリー メンバー2 (活性化誘導)"			
1389	0.0664286	3.63688	-3.03374
32217_at	AF052105	81566	Hs.188
C	ST		染色体 12 オー
79			
ブンリーディングフレーム22			
1390	-0.0613116	2.91382	-2.64603
39724_s_at	U58087	8454	Hs.145
C	ST	C	クリン 1
41			

1391	0.0166229	4.15752	-3.56402
34950_at	AB018303	23090	Hs.137
168	C	ST	OLF-1/EBF関連
ジンクフィンガー遺伝子			
1392	-0.149328	4.47546	-4.15434
37908_at	U31384	2791	Hs.83381
C	ST		グアニンヌクレオチ
ド結合タンパク質11			
1393	-0.190858	2.87134	-2.84518
38095_i_at	M83664	3115	Hs.814
C	ST	C	"主要組織適合性複
合体, クラスII, DP β 1"			
1394	0.151821	4.60625	-3.74326
35702_at	M76665	3290	Hs.275215
C	ST	C	ヒドロキシステロ
イド (11- β) デヒドロゲナーゼ1			
1395	-0.126526	4.63242	-4.28381
40913_at	W28589		
C	ST		
1396	0.118261	3.20904	-2.58207
38279_at	D90150	2781	Hs.92002
C	ST		"グアニンヌクレオチ
ド結合タンパク質(Gタンパク質), α zポリペプチド"			
1397	0.108152	3.36791	-2.76101
37831_at	AB011117	23094	Hs.1299
43	C	ST	KIAA0545タンパ
ク質			
1398	-0.0929952	4.10018	-3.77097
1467_at	U12535	2059	Hs.2132
C	ST		表皮成長因子レセプ
ター経路基質 8			
1399	-0.265257	4.75445	-4.6711
38740_at	X79067	677	Hs.85155
C	ST	C	"ジンクフィンガータ
ンパク質36, C3H型様 1"			
1400	0.0310643	4.17882	-3.61103
1636_g_at	U07563	25	Hs.146355
C	ST		v-abl Abelsonマウ
ス白血病ウイルスオンコジーンホモログ 1			
1401	0.299669	4.69293	-3.8578
35633_at	D87457	9844	Hs.31463
C	ST		"吞食および細胞運動
性 1(ced-12ホモログ, C. elegans)"			
1402	0.246121	3.54775	-2.87246
33349_at	AL049378		
C	ST		
1403	0.14101	2.42607	-2.01939
33722_at	AB011120	8455	Hs.194019
C	ST		アトラクチン
1404	0.451782	4.05856	-2.95856

	1831_at	M60314	653	Hs.1104
	C	ST		骨形成タンパク質 5
1405		0.0671068	2.49014	-2.22396
	40006_at	U63090	6483	Hs.343628
	C	ST		"シアリルトランス
	フェラーゼ4B (βガラクトシダーゼα-2,3-シアリルトランスフェラーゼ)"			
1406		0.262347	5.74787	-4.92204
	38298_at	U25138	3779	Hs.93841
	C	ST		"カリウム高伝導度カ
	ルシウム依存性チャネル, サブファミリーM, βメンバー 1"			
1407		-0.046746	3.07679	-2.9992
	33790_at	AI720438	6358	Hs.20144
	C	ST		"小型誘導性サイト
	カイン サブファミリーA (Cys-Cys), メンバー14"			
1408		0.0445068	4.92957	-4.54519
	35747_at	AF035287	27020	Hs.635
4	C	ST		間質細胞由来因子
	レセプター 1			
1409		0.223292	3.06526	-2.45348
	1535_at	U68723	1112	Hs.211773
	C	ST		チェックポイント抑制
	因子 1			
1410		0.0730656	4.08155	-3.77754
	2062_at	L19182	3490	Hs.119206
	C	ST	C	インスリン様成長
	因子結合タンパク質7			
1411		0.119696	3.95707	-3.55352
	34205_at	AL047307		
	C	ST		
1412		0.105571	4.35597	-3.95497
	32260_at	X86809	8682	Hs.194673
	C	ST	C	星状細胞で富化さ
	れるリンタンパク質15			
1413		0.0333212	3.27062	-3.05924
	34656_at	X82895	4355	Hs.23205
	C	ST		"膜タンパク質, パ
	ルミトイル化 2(MAGUK p55 サブファミリーメンバー2)"			
1414		0.0168494	5.45538	-5.16677
	34320_at	AL050224	22939	Hs.297
59	C	ST	C	ポリメラーゼ I
	および転写物放出因子			
1415		0.250433	3.05572	-2.42385
	39521_at	U55054	6560	Hs.10094
	C	ST		"溶質キャリアファミ
	リー12 (カリウム/塩素トランスポーター), メンバー4"			
1416		0.217137	3.45003	-2.85894
	37047_at	AF002020	4864	Hs.76918
	C	ST		"Niemann-Pick病,
	C1型"			
1417		0.0792778	3.95886	-3.60647

32184_at	X61118	4005	Hs.184585
C	ST		LIMドメインのみ 2
(ロンボチン様1)			
1418	0.323338	3.27577	-2.48354
33887_at	D84064	9146	Hs.24756
C	ST		肝細胞 成長因子調節
チロシinkinナーゼ 基質			
1419	0.380421	4.40365	-3.38368
1121_g_at	J05459	2947	Hs.2006
C	ST	C	グルタチオン S-ト
ランスフェラーゼM3 (脳)			
1420	0.375685	4.01064	-3.02219
33480_at	X15393	4295	Hs.2813
C	ST		モチリン
1421	-0.00610411	2.67007	-2.48914
34989_at	U09414	7696	Hs.3736
48	C	ST	ジンクフィンガ
ータンパク質137(クロン pHZ-30)			
1422	-0.172432	4.065	-4.11225
38992_at	X64229	7913	Hs.110713
C	ST		DEKオンコジーン (DN
A結合)			
1423	-0.110456	2.53811	-2.57888
38692_at	AF045451	4664	Hs.1074
74	C	ST	C
ンパク質1(EGR1 結合タンパク質1)			NGFI-A 結合タ
1424	0.171648	4.05513	-3.44497
1380_at	M60828	2252	Hs.374988
C	ST		線維芽細胞成長因子
7 (ケラチノサイト 成長因子)			
1425	-0.0357228	3.69708	-3.50952
41123_s_at	L35594	5168	Hs.174
185	C	ST	C
オチドピロホスファターゼ/ホスホジエステラーゼ2 (オータキシン)			エクトヌクレ
1426	0.310112	2.7579	-1.9254
38191_at	AI040181	9681	Hs.155987
C	ST		KIAA0645遺伝子産物
1427	-0.0164939	3.71769	-3.4412
37394_at	J03507	730	Hs.78065
C	ST	C	補体成分7
1428	0.070493	5.60902	-5.00316
34407_at	U77594	5919	Hs.37682
C	ST	C	レチノイン酸レセプ
ター応答因子 (タザロテン誘導)2			
1429	-0.1288	4.25683	-4.14576
36668_at	M28713	1727	Hs.274464
C	ST		ジアフォラーゼ (NAD
H) (シトクロムb-5 レダクターゼ)			
1430	0.192309	3.28184	-2.63681
41545_at	X66365	1021	Hs.38481

	C	ST		サイクリン依存性キ
ナーゼ 6				
1431	0.131454	2.48835	-2.02609	
37647_at		M62840	313	Hs.82542
C		ST		アシロキシシアシルヒ
ドロラーゼ (好中球)				
1432	-0.050925	3.55569	-3.36492	
39710_at		U30521	9315	Hs.142827
C		ST	C	P311タンパク質
1433	-0.116388	3.06739	-3.048	
35738_at		AI347088	10473	Hs.23677
4	C	ST	C	高移動度群 (非
ヒストン染色体)タンパク質17様 3				
1434	0.0775032	2.5289	-2.17863	
34675_at		AL080210		
C		ST		
1435	0.0628797	5.4178	-4.88848	
38042_at		X03674	2539	Hs.80206
C		ST	C	グルコース-6-ホス
フェートデヒドロゲナーゼ				
1436	0.147157	2.96327	-2.45653	
33850_at		W28892	10209	Hs.150580
C		ST		推定翻訳開始因子
1437	0.0447331	4.40372	-3.97711	
33457_at		AB029028	23272	Hs.234
40	C	ST	C	KIAA1105タンパ
ク質				
1437	0.0447331	4.40372	-3.97711	
33457_at		AB029028	23272	Hs.234
40	C	ST	C	KIAA1105タンパ
ク質				
1438	0.0926891	3.28499	-2.85314	
36304_at		M16973	732	Hs.38069
C		ST		"補体成分8, βポリ
ペプチド"				
1439	0.702776	2.42793	-2.93887	
1718_at		U50523	10109	Hs.83583
C		ST		"アクチン関連タンパ
ク質 2/3複合体,サブユニット2 (34 kD)"				
1440	1.05277	2.87782	-2.7965	
32857_at		L13858	6655	Hs.348496
C		ST		セブンレス(Drosophil
ia)ホモログの子孫 2				
1441	1.05948	2.7646	-2.53699	
35073_at		U89331	6473	Hs.105932
C		ST		小人症ホメオボックス
1442	1.04231	2.76977	-2.58949	
41244_f_at		X80910	5500	Hs.21537
C		ST		"プロテインホスフ
ァターゼ1, 触媒性サブユニット, β アイソフォーム"				

1443	1.06793	2.95918	-2.91183
101_at	Y09305	8798	Hs.17154
C	ST		二重特異性チロシン-(Y)
-リン酸化調節キナーゼ 4			
1444	0.981749	2.7391	-2.71715
1305_s_at	D12620	4051	Hs.106242
C	ST		"シトクロムP450,
サブファミリーIVF, ポリペプチド 3 (ロイコトリエン B4 ωヒドロキシラーゼ)"			
1445	0.925724	3.05634	-3.5384
1909_at	M14745	596	Hs.79241
C	ST	C	B細胞 CLL/リンパ腫2
1446	0.704871	2.40482	-2.83804
34239_at	AL049787	90634	Hs.2217
4	C	ST	ST
8			仮想遺伝子 CG01
1447	0.981181	3.08259	-3.60842
34954_r_at	D89094	8654	Hs.13927
1	C	ST	"ホスホジエステ
ラーゼ5A, cGMP特異的"			
1448	1.02064	2.94062	-3.15025
34754_at	W26641	57147	Hs.24243
C	ST		仮想タンパク質LOC57
147			
1449	1.51195	4.95562	-5.90733
34678_at	AL096713	26509	Hs.23468
0	C	ST	"fer-1様 3, ミ
オフエリン (C.elegans)"			
1449	1.51195	4.95562	-5.90733
34678_at	AL096713	26509	Hs.23468
0	C	ST	"fer-1様 3, ミ
オフエリン (C.elegans)"			
1450	0.987464	2.74351	-2.78583
41807_at	AL040137		
C	ST		
1451	0.921044	3.06597	-3.6456
39324_at	AL050078		
C	ST		
1452	0.979956	2.48801	-2.22498
36144_at	D38522	23208	Hs.74554
C	ST		KIAA0080タンパク質
1453	1.35349	4.62705	-5.64122
37225_at	D79994	23189	Hs.77546
C	ST	C	KIAA0172タンパク質
1454	1.0161	2.59869	-2.37349
33681_at	X61598	871	Hs.241579
C	ST		"セリン (またはシステ
イン)プロテイナーゼインヒビター, クレド H (ヒートショックタンパク質 47), メン			
バー1"			
1455	1.1509	3.24895	-3.11765
34489_f_at	AF066065	25794	Hs.1185

55	C	ST		"ファスシン (St
rongylocentrotuspurpuratus)				ホモログ 2 (アクチン結合タンパク質, 網膜)"
1456	0.992014	2.64562		-2.35063
	39505_at	AW007036	57165	Hs.1000
72	C	ST		コネキシン46.6
1457	0.61401	2.20228		-2.65833
	36641_at	U03851	830	Hs.75546
	C	ST	C	"キャッピングタンパ
ク質 (アクチンフィラメント)筋 Z線, α 2"				
1458	1.51494	4.27297		-4.1785
	38003_s_at	U94905	8525	Hs.277445
	C	ST		"ジアシルグリセロ
ールキナーゼ, ゼータ(104kD)"				
1459	0.625046	2.1134		-2.44819
	39430_at	AF082557	8658	Hs.131814
	C	ST		"タンキラーゼ, TR
F1相互作用 アンキリン関連ADPリボースポリメラーゼ"				
1460	1.30916	4.15475		-4.50678
	31432_g_at	U12255	2217	Hs.111903
	C	ST		"IgGのFcフラグメ
ント, レセプター, トランスポーター, α "				
1461	0.904496	2.87909		-3.13253
	1023_at	X02158	2056	Hs.2303
	C	ST		エリスロポイエチン
1462	0.808871	2.46345		-2.57478
	31821_at	AB011167	23082	Hs.1469
57	C	ST		KIAA0595タンパ
ク質				
1463	1.48489	4.64164		-4.99458
	37923_at	AA846749	55937	Hs.24712
9	C	ST		アポリポタンパク
質M				
1464	1.21048	3.67794		-3.85055
	41043_at	AB006867	6665	Hs.95582
	C	ST		SRY (性決定領域Y)
ボックス 20				
1465	1.00405	3.43187		-3.74397
	34776_at	W27541	23580	Hs.3903
	C	ST		Cdc42エフェクタータ
ンパク質 4;binder of Rho GTPases 4				
1466	1.15968	3.65021		-3.73363
	1519_at	J04102	2114	Hs.85146
	C	ST	C	v-ets 赤芽球症ウイル
スE26オンコジーンホモログ2 (トリ)				
1467	0.804864	2.45163		-2.42756
	37909_at	L34155	3909	Hs.83450
	C	ST		"ラミニン, α 3 (ナ
イセイン(150kD), カリーニン (165kD), BM600 (150kD), epilegrin)"				
1468	1.22793	3.66509		-3.62844
	35867_at	X98333	6582	Hs.183572

	C	ST		"溶質キャリアファミ
リー22 (有機カチオントランスポーター),メンバー2"				
1469	0.579513	2.35122		-2.94606
	37420_i_at	AL022723	3134	Hs.110
309	C	ST		"主要組織適合
性複合体, クラスI,F"				
1470	0.854156	2.84855		-3.13532
	37326_at	U93305	4007	Hs.166173
	C	ST		LIMドメインのみ 6
1471	1.09577	3.05581		-2.81845
	31987_at	AL049268		
	C	ST		
1472	1.32658	3.8896		-3.75845
	35350_at	AB011170	51363	Hs.6079
	C	ST		B細胞 RAG関連タンパ
ク質				
1473	1.01559	2.98338		-2.87452
	41326_at	AI193606	3777	Hs.24040
	C	ST		"カリウムチャネル,
サブファミリーK,メンバー3 (TASK-1)"				
1474	1.05535	2.86742		-2.52033
	32912_at	X82324	5456	Hs.2229
	C	ST		"POUドメイン, クラス3
, 転写因子4"				
1475	0.693808	2.83307		-2.95535
	406_at	X53587	3691	Hs.85266
	C	ST	C	"インテグリン, β 4"
1476	0.890804	3.38397		-3.31933
	757_at	D28364		C
	ST			
1477	1.05055	3.49458		-3.10105
	39639_s_at	X07948	7141	Hs.3017
	C	ST		転移タンパク質 1 (
ヒストン からプロタミン置換の間)				
1478	0.806277	3.14274		-3.15649
	35498_at	AI052518	1418	Hs.12256
6	C	ST		"クリスタリン,
γ A"				
1479	0.708687	2.91902		-3.04028
	33448_at	AB000095	6692	Hs.23395
0	C	ST		"セリンプロテア
ーゼインヒビター,Kunitz型 1"				
1480	1.07511	4.40382		-4.51644
	41076_at	AF099730	2707	Hs.98485
	C	ST		"ギャップ結合タン
パク質, β 3,31kD (コネキシン 31)"				
1481	1.27939	5.49929		-5.7725
	32314_g_at	M12125	7169	Hs.300772
	C	ST		トロポミオシン2 (
β)				

1482	0.681532	2.5783	-2.47743
38964_r_at	U12707	7454	Hs.2157
C	ST		Wiskott-Aldrich症候
群 (湿疹-血小板減少)			
1483	1.05729	4.18124	-4.14103
40032_at	D50923	9816	Hs.57730
C	ST		KIAA0133遺伝子産物
1484	0.716524	2.74233	-2.65403
218_at	S74221	3550	Hs.8024
C	ST	C	"IKサイトカイン, HLA
IIのダウンレギュレーション"			
1485	0.585113	3.23024	-3.67116
36636_at	M12267	4942	Hs.75485
C	ST	C	オルニチンアミノト
ランスフェラーゼ(回転状萎縮)			
1486	0.694814	3.01621	-3.01708
39365_i_at	Y18207	5507	Hs.30309
C	ST		"プロテインホス
0 ファターゼ1, 調節因子(インヒビター)サブユニット 3C"			
1487	1.17784	5.05231	-5.02661
34537_at	L36069	3768	Hs.2363
C	ST		"カリウム内部整流チャ
ネル, サブファミリーJ, メンバー12"			
1488	0.97109	3.45588	-3.01219
35089_at	AB005060	9542	Hs.113264
C	ST		ニューレグリン 2
1489	0.713785	2.78857	-2.61273
40997_at	AI660963	7786	Hs.21160
C	ST		マイトジェン活性
1 化プロテインキナーゼキナーゼキナーゼ12			
1490	0.678651	3.34139	-3.5527
41216_r_at	D13891	3398	Hs.180919
C	ST		"DNA結合のインヒ
ビター 2, ドミナントネガティブヘリックス-ループ-ヘリックスタンパク質"			
1491	1.16677	5.41456	-5.59431
39315_at	D13628	284	Hs.2463
C	ST		アンギオポイエチン1
1492	1.01109	4.61785	-4.72956
31830_s_at	Y13492	6525	Hs.149098
C	ST	C	ズムーセリン
1493	0.631125	3.20404	-3.4404
37913_at	J00140	1719	Hs.83765
C	ST		ジヒドロ葉酸レダクタ
ーゼ			
1494	0.466712	2.60871	-2.91545
38737_at	X57025	3479	Hs.85112
C	ST	C	インスリン様成長因
子1 (ソマトメジンC)			
1495	0.630646	3.23746	-3.61305
41449_at	AJ000534	8910	Hs.11070

8	C	ST		"サルコグリカン,
ϵ "				
1496	0.848191	2.97661		-2.59775
	38577_at	U92981		
C	ST			
1497	0.532684	2.35332		-2.41714
	37454_at	AJ001634	6357	Hs.11383
C	ST			"小型誘導性サイト
カイン サブファミリーA (Cys-Cys), メンバー13"				
1498	0.524315	2.48742		-2.70181
	36227_at	AF043129		
C	ST			
1499	1.10634	4.16175		-3.90458
	41279_f_at	AF007134	9479	Hs.2342
49	C	ST		マイトジェン活
性化プロテインキナーゼ8相互作用タンパク質1				
1500	0.802738	3.46059		-3.55696
	36773_f_at	M81141	3119	Hs.73931
C	ST			"主要組織適合性複
合体, クラスII, DQ β 1"				
1501	0.989705	3.29248		-2.81074
	35416_at	AF034611	8029	Hs.16620
6	C	ST		キュービリン (内
因性因子-コバラミンレセプター)				
1502	0.58525	2.69852		-2.91078
	37509_at	AF046059	51379	Hs.7120
C	ST			サイトカインレセプ
ター様因子 3				
1503	0.713447	3.09693		-3.39588
	955_at	X52606	808	Hs.334330
C	ST			"カルモジュリン3 (ホ
スホリラーゼキナーゼ, δ)"				
1504	0.981332	4.33862		-4.81727
	1452_at	U24576	8543	Hs.3844
C	ST	C		LIMドメインのみ 4
1505	0.875108	2.73344		-2.33624
	33042_r_at	AF055018		
C	ST			
1506	1.01198	4.0932		-4.35976
	1693_s_at	D11139	7076	Hs.5831
C	ST			"メタロプロテインナー
ゼ1の組織インヒビター(赤血球増強活性, コラゲナーゼインヒビター)"				
1507	0.845213	2.91603		-2.76943
	33995_at	M97496	2980	Hs.778
C	ST			グアニル酸シクラーゼ
活性化因子 2A(グアニルin)				
1508	0.87278	2.53841		-2.02454
	35728_at	W29077	54963	Hs.39850
C	ST			仮想タンパク質FLJ20
517				

1509	0.806488	3.21438	-3.37802
41364_r_at	AB014580	9749	Hs.102
471	C	ST	KIAA0680遺伝子
産物			
1510	0.798683	2.54846	-2.24198
37312_at	D50917	9792	Hs.77293
C	ST	C	PHS-プロモドメイ
ンを含む転写調節因子 相互作用 2			
1511	1.11405	3.79607	-3.54405
1296_at	D83542	1013	Hs.148090
C	ST		"カドヘリン15, M-カ
ドヘリン (筋小管)"			
1512	0.871128	3.22775	-3.22141
35219_at	AL050202	84308	Hs.5938
4	C	ST	仮想タンパク質MG
C3047			
1513	1.06949	4.35313	-4.72367
36065_at	AF052389	9079	Hs.4980
C	ST	C	LIMドメイン結合 2
1514	0.629562	3.23751	-3.98478
924_s_at	J03805	5516	Hs.80350
C	ST	C	"プロテインホスフ
ァターゼ2 (以前は2A), 触媒性サブユニット, β アイソフォーム"			
1515	1.0865	4.78724	-5.45373
32565_at	U66619	6604	Hs.71622
C	ST	C	"SWI/SNF関連, マトリ
ックス関連, クロマチンのアクチン依存性調節因子, サブファミリー-d, メンバー3"			
1516	1.21537	4.59283	-4.75663
37043_at	AL021154	1870	Hs.121487
C	ST		E2F転写因子2
1517	0.735931	2.41346	-2.23011
40989_at	AI953179	10098	Hs.8037
C	ST		テトラスパン 5
1518	0.704817	2.87911	-3.10986
38149_at	D29642	9938	Hs.1528
C	ST		KIAA0053遺伝子産物
1519	0.816274	3.28931	-3.53613
39705_at	AB014600	23309	Hs.1399
9	C	ST	KIAA0700タンパク
質			
1520	0.76681	2.4359	-2.16758
34507_s_at	AB029002	22853	Hs.1227
08	C	ST	KIAA1079タンパ
ク質			
1521	1.10767	3.50151	-3.19145
40267_s_at	AI880840	22846	Hs.155
182	C	ST	KIAA1036タンパ
ク質			
1522	1.11874	4.20894	-4.3991
31431_at	U12255	2217	Hs.111903

	C	ST		"IgGのFcフラグメント
	, レセプター, トランスポーター, α "			
1523	1.19536	3.93726	-3.68648	
	41775_at	AF064084	23463	Hs.18321
2	C	ST	C	イソプレニルシ
	ステインカルボキシリルメチルトランスフェラーゼ			
1524	1.15704	3.49383	-3.00443	
	33711_at	V01510	5443	Hs.1897
	C	ST		プロオピオメラノコル
	チン (副腎皮質刺激ホルモン/ β -リポトロピン/ α -メラニン細胞刺激ホルモン/ β -メラニン細胞刺激ホルモン/ β -エンドルフィン)			
1525	1.31352	4.53778	-4.41973	
	32876_s_at	AA017195	6010	Hs.2475
65	C	ST		"ロドプシン (オ
	プシン 2, rod 色素) (色素性網膜炎 4, 常染色体優性)"			
1526	0.851686	2.69794	-2.43273	
	34988_at	AF052119		
	C	ST		
1527	1.06713	3.72536	-3.94881	
	34257_at	AB014605	9863	Hs.22599
	C	ST		アトロフィン-1相互
	作用タンパク質1; アクチビンレセプター相互作用タンパク質1			
1528	0.893035	2.79942	-2.71791	
	36279_at	AB011128	23247	Hs.3051
2	C	ST		KIAA0556タンパク
	質			
1529	0.905572	2.45718	-2.08949	
	34590_at	S72921	1270	Hs.348372
	C	ST		毛様体 神経栄養性
	因子			
1530	1.56881	5.57021	-6.11711	
	39145_at	J02854	10398	Hs.9615
	C	ST	C	"ミオシン, 軽ポリペ
	プチド 9, 調節因子"			
1531	0.90037	3.50494	-4.11018	
	40856_at	U29953	5176	Hs.173594
	C	ST		"セリン (またはシス
	テイン)プロテイナーゼインヒビター, クレード F (α -2抗プラスミン, 色素上皮由来因子), メンバー1"			
1532	0.872543	3.54978	-4.24015	
	676_g_at	J04164	8519	Hs.146360
	C	ST		インターフェロン誘
	導性膜貫通タンパク質 1 (9-27)			
1533	0.672661	2.67588	-3.16384	
	37653_at	AF018081	80781	Hs.7840
9	C	ST		"コラーゲン, XVI
	型II, α 1"			
1534	1.49776	5.52462	-6.20597	
	1197_at	D00654	72	Hs.78045
	C	ST	C	"アクチン, γ 2, 平滑

筋, 腸内"

1535	0.846794	2.49623	-2.30641
35358_at	AB028998	23371	Hs.6147
C	ST		KIAA1075タンパク
質			
1536	0.97441	3.43488	-3.71364
33220_at	Z11773	7741	Hs.237786
C	ST	C	ジンクフィンガータ
ンパク質187			
1537	1.11467	3.24557	-2.93356
39743_at	AI862521	54987	Hs.14686
1	C	ST	C
LJ20580			仮想タンパク質F
1538	1.39183	4.61372	-4.59199
36894_at	AL031846	9582	Hs.226307
C	ST		ホルボリン (アポ
リポタンパク質BmRNA 編集タンパク質に類似)			
1539	0.732141	2.4826	-2.51936
34356_at	U52960	9412	Hs.286145
C	ST	C	RNA ポリメラーゼ
BホモログのSRB7抑制因子(酵母)			
1540	1.32972	4.41263	-4.4267
34671_at	U93867	10623	Hs.250745
C	ST		ポリメラーゼ (RNA)
III (DNA指向性) (62kD)			
1541	1.02435	3.23037	-3.0855
33235_at	AB023155	22840	
C	ST		KIAA0938タンパク質
1542	0.792272	2.91629	-3.16317
38364_at	AF068197	11050	Hs.9982
4	C	ST	BCE-1タンパク質
1543	0.948666	2.70587	-2.28616
35360_at	Y17711	10367	Hs.61628
C	ST		カルシウム結合性ア
トピー関連自己抗原1			
1544	0.837498	2.62685	-2.45791
36454_at	AF037335	771	Hs.5338
C	ST		炭酸脱水酵素XII
1545	1.25383	4.29657	-4.3669
38671_at	AB014520	23129	Hs.301685
C	ST		KIAA0620タンパク
質			
1546	1.05047	3.91394	-4.24789
40057_at	U94777	5837	Hs.154084
C	ST		"ホスホリラーゼ, グ
リコーゲン; 筋肉(McArdle症候群, グリコーゲン保存病型 V)"			
1547	0.730292	2.97736	-3.34081
34945_at	AF070526	57125	Hs.1250
36	C	ST	腫瘍内皮マーカ
ー 7 前駆体			

1548	0.994501	3.33541	-3.24734
31457_at	AF042832	2306	Hs.16618
8 C	ST		フォークヘッドボ
ックスD2			
1549	1.46257	5.71505	-6.25154
32847_at	U48959	4638	Hs.211582
C	ST	C	"ミオシン, 軽ポリ
ペプチドキナーゼ"			
1550	0.94176	3.47906	-3.65859
40191_s_at	AI761647		
C	ST		
1551	0.888141	2.74094	-2.50991
36338_at	W28504		
C	ST		
1552	0.661657	2.54204	-2.77635
39423_f_at	AJ000644	8405	Hs.129
951 C	ST		スペックル型 P
OZタンパク質			
1553	0.534254	2.30095	-2.696
38858_at	U04270	3757	Hs.188021
C	ST	C	"カリウム電位型チャ
ネル, サブファミリーH(eag関連), メンバー2"			
1554	0.74489	4.71536	-4.90917
773_at	D10667	4629	Hs.78344
C	ST	C	"ミオシン, 重ポリペプ
チド 11, 平滑筋"			
1555	0.458156	2.73579	-2.78652
41466_s_at	L04282	7707	Hs.11218
0 C	ST		ジンクフィンガー
タンパク質148(pHZ-52)			
1556	0.427279	2.42416	-2.41709
34871_at	W30677		
C	ST		
1557	0.442964	2.95558	-3.14751
1501_at	X57025	3479	Hs.85112
C	ST	C	インスリン様成長因
子1 (ソマトメジンC)			
1558	0.902622	4.16912	-3.75874
39974_at	AF039917	956	Hs.47042
C	ST		エクトヌクレオシド
三リン酸 ジホスホヒドロラーゼ 3			
1559	0.691276	3.56681	-3.41368
39730_at	X16416	25	Hs.146355
C	ST		v-abl Abelsonマウス
白血病ウイルスオンコジーンホモログ 1			
1560	0.728688	5.02557	-5.42186
41388_at	AF017418	4212	Hs.10410
5 C	ST	C	"Meis1, 骨髄 エ
コトロピックウイルス統合部位 1ホモログ 2 (マウス)"			
1561	0.725088	4.23411	-4.32239

0	35177_at	AB018268	23259	Hs.2645
質	C	ST		KIAA0725タンパク
1562		1.07413	4.91635	-4.43687
	38987_at	AF052183	79084	Hs.11039
	C	ST		仮想タンパク質MGC
2722				
1563		0.812824	4.44858	-4.40769
	32242_at	AL038340		
	C	ST		
1564		0.677767	3.59618	-3.53909
	39061_at	D28137	684	Hs.118110
	C	ST		bone marrow 間質細
胞抗原 2				
1565		0.514856	2.51377	-2.4031
	41639_at	D38553	23397	Hs.1192
	C	ST		KIAA0074タンパク質
1566		0.584592	2.40538	-2.0619
	35062_at	S49953	10408	Hs.103989
	C	ST		DNA結合転写a1 活性
化因子				
1567		0.604598	2.90186	-2.57266
	38661_at	X75315	55544	Hs.236361
	C	ST		seb4D
1568		0.851521	5.32015	-5.34656
	40303_at	U85658	7022	Hs.61796
	C	ST		転写因子AP-2 γ (活
性化エンハンサー結合タンパク質2 γ)				
1569		0.316172	2.73598	-3.03547
	33413_at	AF051160	7803	Hs.22777
7	C	ST		"タンパク質チロ
シンホスファターゼIV型A, メンバー1"				
1570		0.682668	5.52249	-6.16589
	32531_at	X52947	2697	Hs.74471
	C	ST	C	"ギャップ結合タン
パク質, α 1,43kD (コネキシン 43)"				
1571		0.761634	5.30912	-5.67101
	34203_at	D17408	1264	Hs.21223
	C	ST	C	"カルボニン1, 塩基
性, 平滑筋"				
1572		0.676859	3.09596	-2.7444
	33418_at	AL096752		
	C	ST		
1573		0.381282	3.19809	-3.61098
	1708_at	U07620	5602	Hs.151051
	C	ST		マイトジェン活性化
プロテインキナーゼ10				
1574		0.755224	2.81578	-2.16683
	1033_g_at	U11872		
	C	ST		

1575	0.61582	3.01996	-2.76532
36689_at	AL040446	55097	
C	ST		オキシステロール結合タン
パク質関連タンパク質 1			
1576	0.72075	3.98984	-3.86369
39341_at	AJ001902	7205	Hs.119498
C	ST		甲状腺ホルモンレ
セプター インタラクター 6			
1577	0.552489	2.80413	-2.60141
38512_r_at	D26158	1995	Hs.1701
C	ST		"ELAV (胚致死性,
視覚異常,Drosophila)様 3 (Hu抗原 C)"			
1578	0.984682	5.17239	-4.87708
37307_at	X04828	2771	Hs.77269
C	ST		"グアニンヌクレオチ
ド結合タンパク質(Gタンパク質), α 阻害活性ポリペプチド 2"			
1579	0.791663	4.77736	-4.78685
35365_at	U40282	3611	Hs.6196
C	ST		インテグリン連結キナ
ーゼ			
1580	0.773779	4.11629	-4.18536
34377_at	J05096	477	Hs.34114
C	ST		"ATPase, Na ⁺ /K ⁺ 輸送
, α 2 (+) ポリペプチド"			
1581	1.03088	4.1898	-3.65224
36425_at	Y17673	10529	Hs.5025
C	ST		ネブレット
1582	1.31083	5.21204	-4.46795
35567_at	W27492	26013	Hs.119021
C	ST		DKFZP434N061タンパ
ク質			
1583	0.649381	3.37052	-3.38217
1147_at	X12795	7025	Hs.144630
C	ST		"核レセプターサブフ
ァミリー2, 群F, メンバー1"			
1584	0.630811	2.7907	-2.56013
41851_at	AI824126	11007	Hs.66713
C	ST		肝炎 δ 抗原相互作用
用タンパク質 A			
1585	0.608115	2.81427	-2.63741
903_at	L42373	5525	Hs.155079
C	ST		"プロテインホスファ
ターゼ2, 調節サブユニットB(B56), α アイソフォーム"			
1586	0.947934	4.8275	-4.77152
41587_g_at	AF075292	8817	Hs.4958
5	C	ST	線維芽細胞成長因
子 18			
1587	0.644369	2.71446	-2.40693
AFFX-BioC-5_st	J04423		
C	ST		

1588	0.912069	3.79584	-3.4114
36264_at	S75168	4145	Hs.274
C	ST		巨核球関連チロシンキ
ナーゼ			
1589	0.907359	3.49953	-2.97767
1929_at	U83508	284	Hs.2463
C	ST		アンギオポイエチン 1
1590	0.8167	4.80764	-5.13918
37407_s_at	AF013570	4629	Hs.78344
C	ST	C	"ミオシン, 重ボ
リペプチド 11, 平滑筋"			
1591	0.665208	3.76572	-3.96267
38033_at	AL049934	25869	Hs.3554
55	C	ST	DKFZP564M1416タ
ンパク質			
1592	0.296295	2.10924	-2.40478
34986_at	AF030455	10205	Hs.1166
51	C	ST	上皮V様抗原 1
1593	1.00375	4.82705	-4.68748
1526_i_at	U47011	2253	Hs.57710
C	ST		線維芽細胞成長因子
8 (アンドロゲン誘導性)			
1594	0.731533	2.98812	-2.6287
31825_at	M58600	3053	Hs.1478
C	ST		"セリン (またはシステ
イン)プロテインナーゼインヒビター, クレード D (ヘパリン補因子), メンバー1"			
1595	0.746291	3.47694	-3.44318
40779_at	U59919	22920	Hs.171374
C	ST		キネシン関連タン
パク質 3			
1596	0.665668	2.41988	-2.03005
36280_at	U26174	3003	Hs.3066
C	ST		"グランザイム K (セ
リン プロテアーゼ, グランザイム3; トリプターゼII)"			
1597	0.751546	3.65954	-3.67813
35722_at	AL080198	26019	Hs.3862
C	ST		ナンセンス転写物
2の調節因子			
1598	0.8926	4.67404	-4.89423
767_at	AF001548	4629	Hs.78344
C	ST	C	"ミオシン, 重ポリペ
プチド 11, 平滑筋"			
1599	0.650568	4.11563	-4.63997
37599_at	AF017060	316	Hs.355723
C	ST		アルデヒドオキシ
ダーゼ 1			
1600	0.752149	3.00345	-2.64287
32930_f_at	AB023168	22829	Hs.22
7327	C	ST	KIAA0951タン
パク質			

1601	1.14866	5.8254	-5.95077
32313_at	M12125	7169	Hs.300772
C	ST		トロポミオシン2 (β)
1602	0.468507	3.14155	-3.59305
32134_at	AL050162	26136	Hs.1659
86	C	ST	精巢由来転写物
(3 LIMドメイン)			
1603	0.653012	3.67434	-3.92098
38643_at	W87466	55041	Hs.246885
C	ST		仮想タンパク質FLJ
20783			
1604	0.761593	3.45657	-3.32266
35142_at	AF070617		
C	ST		
1605	1.15467	5.56459	-5.65756
31410_at	AF023614	23495	Hs.15834
1	C	ST	膜貫通 活性化因
子およびCAML インタラクター			
1606	0.755396	2.85767	-2.48781
32251_at	AA149307	79921	Hs.1943
29	C	ST	C
FLJ21174			仮想タンパク質
1607	0.617423	3.78265	-4.31674
36040_at	AI337192	6450	Hs.47438
C	ST		SH3ドメイン結合
グルタミン酸リッチタンパク質			
1608	0.704752	2.68979	-2.39272
40429_r_at	AW043812		
C	ST		
1609	1.06481	4.58601	-4.41259
36541_at	AF061749	9093	Hs.6216
C	ST		"DnaJ (Hsp40) ホモロ
グ, サブファミリーA, メンバー3"			
1610	0.705612	3.1547	-3.0986
34046_at	Z83844	11078	Hs.40342
C	ST		推定核タンパク質
1611	0.890817	3.37409	-2.99909
40127_at	M95929	5396	Hs.155606
C	ST		対中胚葉 ホメオボ
ックス 1			
1612	0.668163	2.61005	-2.38683
1638_at	U11732	2120	Hs.169081
C	ST		ets改変体遺伝子 6 (
TELオンコジーン)			
1613	0.2102	2.28031	-2.57174
38539_at	AF062922	9187	Hs.173092
C	ST		"溶質キャリアファ
ミリー24(sodium/カリウム/calcium exchanger), メンバー1"			
1614	1.0978	5.60129	-4.94973
39502_at	AA044910	10570	Hs.100058

	C	ST		ジヒドロピリミジ
ナーゼ様 4				
1615	0.294175	2.55127	-2.73552	
	36789_f_at	AF025534	10990	Hs.77
062	C	ST		"白血球免疫グ
	ロブリン様レセプター, サブファミリーB (TMおよびITIMドメインを含む), メンバー5"			
1616	0.338846	2.47208	-2.55019	
	36905_at	AB009356	6885	Hs.7510
	C	ST		マイトジェン活性化
	プロテインキナーゼキナーゼキナーゼ7			
1617	0.808798	4.84309	-4.63699	
	31831_at	AI888563	6525	Hs.14909
8	C	ST	C	スムーセリン
1618	0.375085	2.88253	-3.0059	
	884_at	M59911	3675	Hs.265829
	C	ST	C	"インテグリン, α 3 (
	抗原CD49C,VLA-3レセプターの α 3サブユニット)"			
1619	0.338224	2.59026	-2.7319	
	34369_at	D86987	9927	Hs.3363
	C	ST		マイトヒュージョン 2
1620	1.02609	4.7082	-3.97941	
	34276_at	AB023197	22981	Hs.227743
	C	ST		KIAA0980タンパク
質				
1621	0.841255	4.57889	-4.23927	
	37808_at	AL049989	51375	Hs.1272
41	C	ST		選別ネキシン 7
1622	0.912227	6.08503	-6.16222	
	36931_at	M95787	6876	Hs.75777
	C	ST	C	トランスゲリン
1623	0.844005	5.17848	-5.10764	
	33412_at	AI535946	3956	Hs.22775
1	C	ST		"レクチン, ガラ
	クトシド結合, 可溶性,1 (ガレクチン 1)"			
1624	0.171544	2.77084	-3.15453	
	38823_s_at	AI961743	9263	Hs.907
5	C	ST		セリン/トレオニ
	ンキナーゼ17a(アポトーシス誘導性)			
1625	0.765896	5.82797	-5.77919	
	38338_at	AI201108	6237	Hs.9651
	C	ST		関連RASウイルス (r
	-ras)オンコジーンホモログ			
1626	0.527923	3.68989	-3.55857	
	36956_at	L20852	6575	Hs.347527
	C	ST		"溶質キャリアファ
	ミリー20 (ホスフェートトランスポーター), メンバー2"			
1627	0.57242	4.63621	-4.65961	
	32610_at	X93510	8572	Hs.79691
	C	ST		LIMドメインタンパク
質				

1628	0.547404	3.33207	-3.03435
40750_at	U18088	5141	Hs.89901
C	ST		"ホスホジエステラー
ゼ4A, cAMP特異的(ホスホジエステラーゼE2 ダンスホモログ, Drosophila)"			
1629	0.536614	2.60425	-2.15235
1129_at	L11239	2636	
C	ST		原腸形成脳 ホメオボックス 1
1630	0.375874	3.43475	-3.59823
33929_at	X54232	2817	Hs.2699
C	ST	C	グリピカン 1
1631	0.504739	2.49571	-2.08175
31475_at	AF082559	8658	Hs.13181
4	C	ST	"タンキナーゼ, T
RF1相互作用 アンキリン関連ADPリボースポリメラーゼ"			
1632	0.262038	2.8459	-3.12416
935_at	L12168	10487	Hs.104125
C	ST		アデニルシクラーゼ
関連タンパク質			
1633	0.239492	3.20117	-3.62868
38944_at	U68019	4088	Hs.288261
C	ST		"MAD, decapentaple
gicホモログ 3に対する母体(Drosophila)"			
1634	0.620224	3.40997	-3.02374
32133_at	AB011161	23396	Hs.2751
82	C	ST	"ホスファチジル
イノシトール-4-ホスフェート5-キナーゼ, I型, γ "			
1635	0.738364	3.31371	-2.67944
38478_at	U08377	6433	Hs.84229
C	ST		"スプライシング因子
, アルギニン/セリンリッチ8 (ホワイトアプリコットホモログの抑制因子, Drosophila)"			
1636	0.758191	3.7814	-3.21801
160022_at	X03663	1436	Hs.174142
C	ST		"コロニー刺激因子1
レセプター, 以前はMcDonough feline肉腫ウイルス (v-fms) オンコジーンホモログ"			
1637	0.568906	3.73008	-3.59122
37902_at	L13278	1429	Hs.83114
C	ST		"クリスタリン, ζ (
キノンレダクターゼ)"			
1638	0.363587	4.53499	-4.48
40438_at	D87930	4659	Hs.16533
C	ST	C	"プロテインホスファタ
ーゼ1, 調節因子(インヒビター)サブユニット 12A"			
1639	0.254987	2.9967	-2.92226
33442_at	AB002365	23273	Hs.23311
C	ST	C	KIAA0367タンパク
質			
1640	0.253226	3.40298	-3.35971
1563_s_at	M58286	7132	Hs.159
C	ST		"腫瘍壊死因子レセプ

タースーパーファミリー, メンバー1A"

1641	0.42261	5.06523	-4.9174
39574_at	AB021292	10505	Hs.25887
C	ST		"セマドメイン, 免疫グロブリンドメイン(Ig), 膜貫通ドメイン(TM)および短い細胞質ドメイン, (セマホリン)4F"
1642	0.275663	3.66645	-3.62569
41656_at	AF043325	9397	Hs.12264
7	C	ST	N-ミリストイルトランスフェラーゼ2
1643	0.376179	2.95191	-2.60044
39596_at	U05012	4916	Hs.26776
C	ST		"神経栄養性チロシンキナーゼ, レセプター, 型3"
1644	0.071662	3.53803	-3.92901
411_i_at	X57351	10581	Hs.174195
C	ST	C	インターフェロン誘導性膜貫通タンパク質 2 (1-8D)
1645	0.84361	6.47248	-5.64761
32913_i_at	AC005175	6915	Hs.8988
7	C	ST	トロンボキサン A 2レセプター
1646	0.372561	5.01808	-4.98089
39939_at	D21337	1288	Hs.408
C	ST		"コラーゲン, IV型, α6"
1647	0.296573	2.79725	-2.61639
33834_at	L36033	6387	Hs.237356
C	ST	C	間質細胞誘導性因子1
1648	0.432656	2.5676	-2.05405
33533_at	U40992	11080	Hs.41693
C	ST		"DnaJ (Hsp40) ホモログ, サブファミリーB, メンバー4"
1649	0.510915	4.61286	-4.27965
33136_at	AL031714		
C	ST		
1650	0.449513	4.11399	-3.82988
37115_at	AL031666		
C	ST		
1651	0.546584	3.40198	-2.79214
34730_g_at	AB029037	7216	Hs.259
802	C	ST	トロフィニン
1652	0.0803066	2.20484	-2.40613
36675_r_at	J03191	5216	Hs.7572
1	C	ST	プロフィリン 1
1653	0.039951	2.97821	-3.40736
41027_at	AF078096	2296	Hs.34888
3	C	ST	フォークヘッドボックスC1

1654	0.372813	5.39405	-5.51524
38700_at	M33146	1465	Hs.108080
C	ST		システインおよびグ
リシンリッチタンパク質 1			
1655	0.37805	5.09192	-5.14737
39544_at	AB002351	23336	Hs.10587
C	ST		デスムスリン
1656	0.389019	2.90349	-2.56912
34985_at	AF035408	8483	Hs.15140
7	C	ST	"軟骨中間層タン
パク質,ヌクレオチドピロホスフォヒドロラーゼ"			
1657	0.285133	2.66375	-2.51585
40288_r_at	AA471042		
C	ST		
1658	0.346353	2.54812	-2.25398
40530_at	AL080130		
C	ST		
1659	0.525118	5.38165	-5.21406
36780_at	M25915	1191	Hs.75106
C	ST	C	"クラスタリン (補
体溶解インヒビター,SP-40,40,硫酸化糖タンパク質2,テストステロン抑制性前立腺メ			
ッセージ 2,アポリポタンパク質J)"			
1660	0.367821	4.38594	-4.38026
32582_at	AF001548	4629	Hs.78344
C	ST	C	"ミオシン,重ボ
リペプチド 11,平滑筋"			
1661	0.569758	5.12159	-4.81531
34163_g_at	D84111	11030	Hs.8024
8	C	ST	C
シングを含むRNA-結合タンパク質遺伝子			複数のスプライ
1662	0.488817	3.15652	-2.66931
40281_at	D63878	4735	Hs.155595
C	ST		"ニューロン前駆体
細胞発現,重度にダウンレギュレートされた5"			
1663	0.482591	3.01599	-2.51817
1096_g_at	M28170	930	Hs.96023
C	ST		CD19抗原
1664	0.595612	5.66404	-5.43847
36119_at	AF070648	857	Hs.74034
C	ST	C	"カベオリン 1,カ
ベオラタンパク質,22kD"			
1665	0.337455	4.28473	-4.3735
39165_at	U47101	23479	Hs.9908
C	ST	C	窒素固定クラスター
様			
1666	0.242685	2.83875	-2.95206
37309_at	L09159	387	Hs.77273
C	ST	C	"rasホモログ遺伝子
ファミリー,メンバーA"			

1667	0.270202	2.42272	-2.37978
36739_at	U54617	5166	Hs.8364
C	ST		"ピルビン酸デヒドロ
ゲナーゼキナーゼ,アイソザイム 4"			
1668	0.3141	4.22762	-4.48871
33355_at	AL049381		
C	ST		
1669	0.393712	3.11045	-2.9408
41215_s_at	D13891	3398	Hs.180919
C	ST		"DNA結合のインヒ
ビター 2, ドミナントネガティブヘリックス-ループ-ヘリックスタンパク質"			
1670	0.616243	4.87435	-4.59541
33302_at	AF016028	8082	Hs.18342
8	C	ST	サルコspan (Kr
asオンコジーン関連遺伝子)			
1671	0.537105	5.46295	-5.49935
36792_at	Z24727	7168	Hs.77899
C	ST	C	トロポミオシン1 (
α)			
1672	0.465352	4.88524	-4.94807
32755_at	X13839	59	Hs.195851
C	ST		"アクチン, α 2, 平滑
筋, 大動脈"			
1673	0.532009	3.67432	-3.29932
35828_at	D42123	1397	Hs.70327
C	ST		システインリッチタ
ンパク質 2			
1674	0.129585	3.48599	-3.95622
37218_at	D64110	10950	Hs.77311
C	ST	C	"BTGファミリー,
メンバー3"			
1675	0.36483	3.18404	-3.06908
33802_at	Z82244	3162	Hs.202833
C	ST		ヘムオキシゲナーゼ(
デサイクリング)1			
1676	0.431237	3.22115	-2.94783
37339_at	U20657	7375	Hs.77500
C	ST		ユビキチン特異的プ
ロテアーゼ4 (プロトオンコジーン)			
1677	0.547159	3.3775	-2.89451
40740_at	M93650	5080	Hs.89506
C	ST		"対ボックス遺伝子 6
(無虹彩症, 角膜炎)"			
1678	0.49635	2.43814	-1.86359
40633_at	U79246	22894	Hs.323346
C	ST		有糸分裂制御タンパ
ク質 ジス3ホモログ			
1679	0.575503	5.46699	-5.36392
39031_at	AA152406	1346	Hs.11434

6	C	ST	C	シトクロムc オ
キシダーゼサブユニット VIIa	ポリペプチド 1 (筋肉)			
1680	0.409538	2.76324	-2.44711	
37131_at	AB008390	11202	Hs.1045	
70	C	ST	カリクレイン 8	
(ニューロプシン/オバシン)				
1681	0.376313	3.83413	-3.81947	
38318_at	AL050128	51439	Hs.9526	
0	C	ST	"配列類似性を有	
するファミリー8, メンバーA1"				
1682	0.199402	2.34932	-2.40948	
34735_at	U43195	6093	Hs.17820	
C	ST		"Rho関連, コイルド	
コイル含有プロテインキナーゼ1"				
1683	0.453586	3.5336	-3.24832	
2038_g_at	M13995	596	Hs.79241	
C	ST	C	B細胞 CLL/リンパ腫2	
1684	0.267992	2.95668	-2.97164	
41282_s_at	AA194159	5192	Hs.247	
220	C	ST	ペルオキシソー	
ム生物発生因子10				
1685	0.352465	4.34663	-4.46765	
37576_at	U52969	5121	Hs.80296	
C	ST	C	Purkinje細胞タンパ	
ク質 4				
1686	0.483089	3.37203	-3.00382	
32905_s_at	M30038	7176	Hs.33445	
5	C	ST	"トリプターゼ, α	
"				
1687	0.794723	6.21144	-5.74873	
40776_at	M63391	1674	Hs.279604	
C	ST		デスミン	
1688	0.659214	3.62703	-2.92787	
33321_r_at	M33494	7177	Hs.34793	
3	C	ST	トリプターゼ β 1	
1689	0.561346	3.56147	-3.24295	
32668_at	AL080076	23635	Hs.1698	
33	C	ST	一本鎖DNA結合タ	
ンパク質2				
1690	0.566576	3.03878	-2.57193	
844_at	U48707	5502	Hs.76780	
C	ST		"プロテインホスファタ	
ーゼ1, 調節因子(インヒビター)サブユニット 1A"				
1691	0.541132	3.40837	-3.08826	
33724_at	U64805	672	Hs.194143	
C	ST	T	"乳癌 1, 早発性"	
1692	0.535046	3.82974	-3.63021	
41679_at	AF035282	81563	Hs.1253	
2	C	ST	染色体 1 オープ	
ンリーディングフレーム21				

1693	0.515399	2.54703	-2.05341
40016_g_at	AB002301	23227	Hs.54
985	C	ST	KIAA0303 タンパク質
ク質			
1694	0.740844	5.41408	-5.16474
32243_g_at	AL038340		
C	ST		
1695	0.468316	3.92331	-3.89587
33357_at	AB011159	10787	Hs.2784
11	C	ST	NCK 関連タンパク質 1
1696	0.742073	4.33283	-3.7243
828_at	U19487	5732	Hs.2090
C	ST		"プロスタグランジン エレクター-2 (サブタイプEP2), 53kD"
1697	0.575979	4.1535	-3.86923
1067_at	U03858	2323	Hs.428
C	ST		fms 関連チロシンキナーゼ 3 リガンド
1698	0.481953	2.48736	-2.01096
1329_s_at	U74382	7013	Hs.194562
C	ST		テロメア反復結合 因子(NIMA相互作用)1
1699	0.386699	3.79712	-3.83283
33143_s_at	U81800	9123	Hs.85838
C	ST		"溶質キャリアファ ミリー-16 (モノカルボン酸トランスポーター), メンバー-3"
1700	0.405257	3.12009	-2.95892
34723_at	U79270	1353	Hs.241515
C	ST		"COX11 ホモログ, シトクロムc オキシダーゼ組立タンパク質(酵母)"
1701	0.342613	2.94185	-2.87585
37669_s_at	U16799	481	Hs.78629
C	ST		"ATPase, Na+/K+ 輸送, β 1 ポリペプチド"
1702	0.712854	5.653	-5.48628
34162_at	D84111	11030	Hs.80248
C	ST	C	複数のスプライシン グを有するRNA-結合タンパク質遺伝子
1703	0.54107	3.55567	-3.24667
32105_f_at	U66063	818	Hs.12436
C	ST		カルシウム/カルモジ ユリン依存性 プロテインキナーゼ(CaMキナーゼ) II γ
1704	0.275946	4.0861	-4.47744
39351_at	M84349	966	Hs.278573
C	ST	C	"CD59 抗原 p18-20 (モノクローナル抗体16.3A5によって同定された抗原,EJ16, EJ30, EL32およびG344)"
1705	0.681883	4.06768	-3.55283
34669_at	X96717	7030	Hs.274184
C	ST		IGHM エンハンサー 3

に結合する転写因子

1706	0.585855	2.96925	-2.39699
32552_at	X00129	5950	Hs.76461
C	ST	C	"レチノール結合タ
ンパク質4, 血漿"			
1707	1.43575	2.95424	-3.05408
34138_at	M60165		
C	ST		
1708	1.44114	2.93894	-3.02129
40356_at	AB026833	9635	Hs.241551
C	ST		"クロライドチャネ
ル,カルシウム活性,ファミリーメンバー2"			
1709	2.04309	4.35631	-4.90776
37257_at	W26238	58497	Hs.78524
C	ST		TcD37ホモログ
1710	1.36695	3.12745	-3.92352
41257_at	D16217	831	Hs.359682
C	ST		カルパスタチン
1711	1.46918	2.63295	-2.04376
39419_at	AB011088	9043	Hs.129872
C	ST	C	精子関連抗原 9
1712	1.18197	2.38487	-2.44943
40678_at	X77922	6489	Hs.82527
C	ST		"シアリルトランスフ
ェラーゼ8 (α-N-アセチルノイラミン酸:α-2,8-シアリルトランスフェラーゼ,GD3シン			
ターゼ)A"			
1713	1.48896	3.4482	-4.48548
33087_s_at	AJ001366	3756	Hs.15830
5	C	ST	"カリウム電位型
チャンネル,サブファミリーH(eag関連),メンバー1"			
1714	1.25153	2.84573	-3.58355
32321_at	X56841	3133	Hs.89643
C	ST	T	"主要組織適合性複合
体,クラスI,E"			
1715	1.45827	2.74249	-2.68321
37446_at	AB007903	9737	Hs.113082
C	ST		KIAA0443遺伝子産
物			
1716	1.50764	2.81268	-2.67605
34146_at	AB019529	4968	Hs.96398
C	ST		8-オキシグアニン D
NAグリコシラーゼ			
1717	1.29093	2.47703	-2.49979
39048_at	U95299	4855	Hs.11689
C	ST		Notchホモログ 4 (Dro
sophila)			
1718	1.43363	3.00678	-3.4179
41412_at	AL023553	5372	Hs.75835
C	ST	T	ホスホマンノムター
ゼ 1			

1719	1.53707	3.09539	-3.27394
35063_at	D50030	3083	Hs.104
C	ST		HGF活性化因子
1720	1.59739	3.20397	-3.49329
40541_at	X01630	445	Hs.160786
C	ST		アルギニノコハク酸,
シンターゼ			
1721	1.40241	2.60421	-2.39598
1528_at	U50531	116828	Hs.138751
C	ST		仮想遺伝子 CG030
1722	1.68618	3.18722	-2.99148
34224_at	AC004770	745	Hs.184640
C	ST		染色体 11オープン
リーディングフレーム9			
1723	1.18226	2.3465	-2.47126
35737_at	U90549	10473	Hs.236774
C	ST	C	高移動度群 (非ヒス
トン染色体)タンパク質17様 3			
1724	1.21222	2.38246	-3.11352
36835_at	U33052	5586	Hs.69171
C	ST		プロテインキナーゼC
様 2			
1725	1.57338	2.73396	-2.63693
41104_at	AF044197	10563	Hs.10043
C	ST		"小型誘導性サイ
トカイン B サブファミリー (Cys-X-Cysモチーフ), メンバー13 (B細胞化学誘引物質)"			
1726	1.86138	3.48927	-4.10406
216_at	M98539	5730	Hs.8272
C	ST		"プロスタグランジン D2
シンターゼ (21kD, 脳)"			
1727	1.32619	2.42218	-2.67808
36252_at	U43030	1489	Hs.25537
C	ST	C	カーディオトロフィ
ン 1			
1728	1.47236	2.95565	-3.40576
37101_at	AL050008	25855	Hs.10042
C	ST		乳癌転移抑制因子
6			
1			
1729	1.82411	3.46466	-3.70078
33798_at	AB018275	23293	Hs.20185
C	ST		染色体 17 オープ
ンリーディングフレーム31			
1730	1.65003	3.16927	-3.44099
40555_at	AL043108	23433	Hs.25069
C	ST		ras様タンパク質
7			
1731	1.44173	3.05156	-3.93447
35367_at	AB006780	3958	Hs.621
C	ST	C	"レクチン, ガラクト
シダーゼ結合性, 通う, 3 (galレクチン 3)"			
1732	1.3498	2.53035	-2.59335

32922_at	AL080129	26109	Hs.225841
C	ST		DKFZP434D193タン
パク質			
1733	1.26923	2.39493	-2.5734
36670_at	L26339	23644	Hs.75682
C	ST		自己抗原
1734	1.03487	2.08366	-2.56477
885_g_at	M59911	3675	Hs.265829
C	ST	C	"インテグリン, α 3
(抗原CD49C, VLA-3レセプターの α 3サブユニット)"			
1735	1.92322	3.59356	-3.8719
39979_at	L29433	2159	Hs.47913
C	ST		凝固因子 X
1736	1.65553	3.03457	-3.13447
33426_at	Y00064	1114	Hs.2281
C	ST		クロモグラニン B (分
泌グラニン 1)			
1737	1.04463	2.04424	-2.45095
34513_at	M31774	7253	Hs.123078
C	ST		甲状腺刺激ホルモン
レセプター			
1738	1.52299	2.66666	-2.50979
31609_s_at	L33799	5118	Hs.202097
C	ST	C	プロコラーゲン C
-エンドペプチダーゼエンハンサー			
1739	1.3865	2.50027	-2.53102
1672_f_at	L41913		
C	ST		
1740	1.08716	2.65378	-2.37477
33589_at	AF052103		
C	ST		
1741	1.10115	2.86799	-2.83575
35012_at	M81750	4332	Hs.153837
C	ST		骨髓細胞核分化抗原
1742	0.714977	2.29121	-2.7961
840_at	U47742	7994	Hs.82210
C	ST	C	ジンクフィンガータン
パク質220			
1743	1.06187	2.85641	-2.96166
41036_at	AL022314	79734	Hs.94810
C	ST		仮想タンパク質FLJ
12242			
1744	1.25969	3.289	-3.30032
35941_f_at	U91329	10749	Hs.139648
C	ST		キネシンファミリー
メンバー1C			
1745	0.721988	2.25437	-2.72065
40518_at	Y00062	5788	Hs.170121
C	ST		"タンパク質チロシ

ンホスファターゼ, レセプター型, C"					
1746	1.31484	3.33835	-3.31182		
	39157_at	AL021937	10737	Hs.27428	
5	C	ST		ret	フィンガー タ
ンパク質様 3 アンチセンス					
1747	1.07035	2.94865	-3.21035		
	37486_f_at	U68385	4213	Hs.83484	
	C	ST	T	"Meis1,	骨髄 エコ
トロピックウイルス統合部位 1ホモログ 3 (マウス)"					
1748	0.731933	2.39581	-3.05744		
	41381_at	AB002306	23337	Hs.1035	
1	C	ST	C	KIAA0308	タンパ
ク質					
1749	0.992406	2.84565	-3.22238		
	39054_at	X08020	2944	Hs.301961	
	C	ST		グルタチオン S-	ト
ランスフェラーゼM1					
1750	0.752554	2.16762	-2.46015		
	33488_at	U88879	7098	Hs.29499	
	C	ST	C	toll様	レセプター3
1751	1.3154	3.04439	-2.69184		
	38541_at	M12792	1589	Hs.278430	
	C	ST		"シトクロムP450,	サ
ブファミリー-XXIA(ステロイド 21-ヒドロキシラーゼ, 先天性副腎皮質過形成), ポリペ					
プチド2"					
1752	1.40631	4.08928	-4.77024		
	37754_at	L13210	3959	Hs.79339	
	C	ST	C	"レクチン,	ガラクト
シド結合性, 可溶性, 3結合タンパク質"					
1753	0.557476	2.0349	-2.85398		
	39034_at	AL080122	25978	Hs.11449	
	C	ST		DKFZP5640123	タン
パク質					
1754	1.42829	3.79723	-4.40736		
	35720_at	AB020700	22911	Hs.3830	
	C	ST		KIAA0893	タンパク質
1755	1.59058	4.35901	-5.22482		
	36617_at	X77956	3397	Hs.75424	
	C	ST	C	"DNA結合の	インヒビ
ター 1, ドミナントネガティブヘリックス-ループ-ヘリックスタンパク質"					
1756	1.30427	3.14867	-3.237		
	39750_at	W61005	51304	Hs.14896	
	C	ST	C	DHHC1	タンパク質
1757	1.10138	2.80295	-3.13966		
	31391_at	AF040723	9001	Hs.158300	
	C	ST		ハンチンチン	関連
タンパク質 1 (ニューロアン1)					
1758	1.42092	3.17421	-2.99103		
	38137_at	AF038847	8468	Hs.150490	
	C	ST		FK506	結合タンパ

ク質6(36kD)

1759	1.31025	3.01665	-2.96147
40768_s_at	X64228	8021	Hs.170285
C	ST		ヌクレオポリン 21
4kD (CAIN)			
1760	1.192	2.60323	-2.34694
36036_at	J05500	6710	Hs.47431
C	ST		"スペクトリン, β , 赤
血球 (球状赤血球を含む, 臨床的I型)"			
1761	0.707601	2.2266	-2.88778
32588_s_at	X78992	678	Hs.78909
C	ST	C	"ジンクフィンガー
タンパク質36,C3H型様 2"			
1762	1.15912	2.65853	-2.39372
35380_at	M63896	7003	Hs.155005
C	ST		TEAドメインファミリー
メンバー1(SV40 転写エンハンサー因子)			
1763	1.60878	4.89335	-6.13328
769_s_at	D00017	302	Hs.217493
C	ST	C	アネキシンA2
1764	1.22834	3.09147	-3.16226
37972_at	U75744	1776	Hs.88646
C	ST		デオキシリボヌクレア
ーゼ I様 3			
1765	1.19809	3.19219	-3.50779
32104_i_at	U66063	818	Hs.12436
C	ST		カルシウム/カルモジ
ユリン依存性 プロテインキナーゼ (CaMキナーゼ) II γ			
1766	0.816883	2.22665	-2.51283
36488_at	AB011542	1955	Hs.5599
C	ST		"EGF様-ドメイン,
マルチ5"			
1767	0.509987	1.76576	-2.45758
1042_at	U27185	5918	Hs.82547
C	ST	C	レチノイン酸レセプ
ター応答因子 (タザロテン誘導性)1			
1768	1.89222	4.67818	-4.86335
1767_s_at	X14885	7043	Hs.2025
C	ST	C	"形質転換成長因子,
β 3"			
1769	0.82957	2.27701	-2.68032
34210_at	N90866	1043	Hs.276770
C	ST		CDW52抗原 (CAMPATH-
1抗原)			
1770	1.22789	2.91958	-2.88917
32204_at	X62025	5148	Hs.1857
C	ST		"ホスホジエステラーゼ
6G, cGMP特異的, rod, γ "			
1771	0.651805	2.04768	-2.74256
35726_at	AI539439	6273	Hs.38991

	C	ST		S100カルシウム結
合タンパク質A2				
1772	0.882581	2.36078	-2.6376	
36943_r_at		U81992	5325	Hs.75825
C		ST	C	多形態腺腫遺伝子
様 1				
1773	1.19249	3.06453	-3.31613	
39014_at		D84239	8857	Hs.111732
C		ST		IgGのFcフラグメント
結合タンパク質				
1774	1.25896	2.73513	-2.2913	
37830_at		AF089749	10867	Hs.129826
C		ST		テトラスパン膜貫
通 4 スーパーファミリー				
1775	1.27007	2.82297	-2.44344	
31807_at		U69190	54555	Hs.143187
C		ST		仮想タンパク質
1776	1.05567	2.42109	-2.21987	
36299_at		X02330	796	Hs.37058
C		ST		"カルシトニン/カルシ
トニン関連ポリペプチド, α "				
1777	1.01136	2.9423	-4.04926	
32587_at		U07802	678	Hs.78909
C		ST	C	"ジンクフィンガータン
パク質36,C3H型様 2"				
1778	1.06227	2.50174	-2.70851	
31536_at		AB020693	57142	Hs.65450
C		ST		レチキュロン 4
1779	0.990416	2.28478	-2.43843	
646_s_at		L29218	1196	Hs.73986
C		ST	T	CDC様キナーゼ 2
1780	1.18877	2.73975	-2.89027	
37911_at		U07158	6810	Hs.83734
C		ST		シンタキシン4A (胎盤
)				
1781	1.27581	2.64891	-2.33548	
37191_at		D87463	9796	Hs.334688
C		ST		フィタノイル-CoA ヒ
ドロキシラーゼ 相互作用タンパク質				
1782	0.921767	2.50342	-3.25433	
40067_at		M82882	1997	Hs.154365
C		ST	C	E74様因子1 (etsド
メイン 転写因子)				
1783	1.72852	3.74377	-3.58598	
33404_at		U02390	10486	Hs.296341
C		ST		アデニルイルシクラ
ーゼ関連タンパク質2				
1784	1.20069	2.55863	-2.37974	
1331_s_at		U83598	8718	Hs.180338
C		ST		"腫瘍壊死因子レセ

プタースーパーファミリー, メンバー12 (転座鎖関連膜タンパク質)"

1785	1.61997	3.67811	-3.6372
34957_at	Y18504	26240	Hs.140944
C	ST		染色体 6上のDNAセグ

メント(固有)2654発現配列

1786	1.11866	2.86903	-3.33197
39693_at	N53547	79073	Hs.13662
C	ST		仮想タンパク質MGC55

08

1787	1.02686	2.4617	-2.62219
1145_g_at	Z71929	2263	Hs.278581
C	ST	C	"線維芽細胞成長因

子レセプター2 (細菌発現キナーゼ, ケラチノサイト 成長因子レセプター, 頭蓋顔面骨形成不全 1, Crouzon症候群, Pfeiffer症候群, Jackson-Weiss症候群)"

1788	1.56413	4.26906	-5.39817
31444_s_at	M62895	305	Hs.348253
C	ST		アネキシンA2 偽遺

伝子 3

1789	1.82422	4.47215	-5.00244
38896_at	AF007748	30000	Hs.27837
C	ST		"カリオフェリン

β 2b, トランスポートイン"

1790	0.943676	2.54444	-3.18425
35785_at	W28281	23710	Hs.336429
C	ST		GABA(A)レセプター

関連タンパク質like 1

1791	1.56464	3.77718	-4.18777
39712_at	AI541308	6284	Hs.14331
C	ST	C	S100カルシウム結

合タンパク質A13

1792	1.08604	2.48761	-2.5498
40137_at	M31724	5770	Hs.155894
C	ST		"タンパク質チロシン

ホスファターゼ, 非レセプター型1"

1793	1.7088	3.47631	-3.40801
38291_at	J00123	5179	Hs.93557
C	ST		プロエンケファリン

1794	1.17053	2.43829	-2.50154
32075_at	D89859	7541	Hs.156000
C	ST		ジンクフィンガータ

ンパク質161ホモログ(マウス)

1795	1.73705	3.79971	-4.28368
38422_s_at	U29332	2274	Hs.8302
C	ST		4と2分の1LIMドメイ

ンス 2

1796	1.47698	3.61395	-4.74402
32747_at	X05409	217	Hs.195432
C	ST	C	アルデヒドデヒドロ

ゲナーゼ2ファミリー(ミトコンドリア)

1797	1.24674	2.54774	-2.53923

33523_at	J03930	248	Hs.37009
C	ST		"アルカリホスファター
ゼ, 腸"			
1798	1.38583	2.80277	-2.63994
31751_f_at	Z98744	3009	Hs.131956
C	ST		"H1ヒストンファミ
リー, メンバー5"			
1799	1.74027	3.86012	-4.29084
1143_s_at	M87771	2263	Hs.278581
C	ST	C	"線維芽細胞成長因
子レセプター2 (細菌発現キナーゼ, ケラチノサイト 成長因子レセプター, 頭蓋顔面骨形			
成不全 1, Crouzon症候群, Pfeiffer症候群, Jackson-Weiss症候群)"			
1800	1.32842	3.07253	-3.63224
37708_r_at	M81118	128	Hs.78989
C	ST		"アルコールデヒドロ
ゲナーゼ 5 (クラスIII), chi	ポリペプチド"		
1801	1.22302	2.56215	-2.60056
37856_at	U96627	8832	Hs.137548
C	ST		CD84抗原 (白血球抗
原)			
1802	1.0515	2.61301	-3.39692
39370_at	W28807	81631	Hs.121849
C	ST		微小管関連タンパク
質s 1A/1B 軽鎖3			
1803	1.51507	3.38474	-3.81345
38312_at	AL050002		
C	ST		
1804	1.23539	2.50702	-2.38856
34992_g_at	U58331	6444	Hs.151899
C	ST		"サルコグリカン,
δ (35kD ジストロフィン関連糖タンパク質)"			
1805	1.19125	3.05856	-4.16086
33102_at	D67031	120	Hs.324470
C	ST		アデュージン 3 (γ)
1806	1.54888	3.22699	-3.28523
37746_r_at	U15131	6764	Hs.79265
C	ST	C	腫瘍形成能 5の抑
制			
1807	1.35565	2.72901	-2.43669
39408_at	Z80345	35	Hs.348900
C	ST		"アシル-補酵素 Aデヒ
ドロゲナーゼ, C-2 to C-3 short chain"			
1808	2.11943	4.91513	-5.60708
565_at	M74047	6716	Hs.1989
C	ST		"ステロイド-5-α-レダク
ターゼ, αポリペプチド2 (3-オキシ-5α-ステロイド δ 4-デヒドロゲナーゼα 2)"			
1809	0.872275	2.15185	-2.66604
36941_at	U16954	10962	Hs.75823
C	ST		染色体 1q由来のALL
1融合遺伝子			

1810	1.33144	2.739	-2.61606
34141_at	AL109681		
C	ST		
1811	0.938305	2.15469	-2.47511
37269_at	D38496	8216	Hs.78788
C	ST		"ロイシンジッパー様
転写al 調節因子,1"			
1812	1.93636	4.64682	-5.64291
33819_at	X13794	3945	Hs.234489
C	ST		乳酸デヒドロゲナー
ゼ B			
1813	1.10893	2.6193	-3.11849
37707_i_at	M81118	128	Hs.78989
C	ST		"アルコールデヒドロ
ゲナーゼ 5 (クラスIII),chi	ポリペプチド"		
1814	2.14386	5.1178	-5.84488
36785_at	Z23090	3315	Hs.76067
C	ST	C	ヒートショック 27kD
タンパク質 1			
1815	1.87079	4.55316	-5.29103
36618_g_at	X77956	3397	Hs.75424
C	ST	C	"DNA結合のインヒ
ビター 1, ドミナントネガティブヘリックス-ループ-ヘリックスタンパク質"			
1816	1.68217	3.8082	-4.0813
36558_at	M92302	782	Hs.635
C	ST		"カルシウムチャネル, 電位
依存性, β 1サブユニット"			
1817	1.43809	3.03533	-2.92733
31839_at	AC004475	57794	Hs.15075
C	ST		仮想タンパク質DKF
Zp434E2216			
1818	0.78287	2.04492	-2.67512
35149_at	AI865431	958	Hs.25648
C	ST	C	"腫瘍壊死因子レセ
プタースーパーファミリー, メンバー5"			
1819	1.66449	2.26334	-2.60175
37978_at	D78177	23475	Hs.8935
C	ST		キノリネートホスホリ
ボシルトランスフェラーゼ (ニコチン酸ヌクレオチドピロホスホリラーゼ (カルボキシル			
化))			
1820	2.25429	3.10671	-4.00544
39545_at	U22398	1028	Hs.106070
C	ST		"サイクリン依存性キ
ナーゼインヒビター1C (p57, Kip2)"			
1821	1.30431	1.81051	-2.54706
39058_at	U01147	29	Hs.118021
C	ST		活性BCR関連遺伝子
1822	1.81476	2.39416	-2.53415
40027_at	W52999	27109	Hs.56155
C	ST		仮想タンパク質

1823	1.75338	2.39821	-3.41775	
1842_at	S62138			C
ST				
1824	1.33868	1.82469	-2.45129	
32960_at	U84401	6608	Hs.197366	
C	ST		平滑ホモログ (Droso	
phila)				
1825	1.60427	2.11181	-2.42651	
1379_at	M59371	1969	Hs.171596	
C	ST	C	EphA2	
1826	2.40584	3.22	-3.99246	
39348_at	X99209	3275	Hs.235887	
C	ST	C	HMT1 hnRNP メチルトラ	
ンスフェラーゼ様1 (S. cerevisiae)				
1827	1.97979	2.58944	-2.83507	
41425_at	M98833	2313	Hs.108043	
C	ST		フレンド白血病ウイ	
ルス組込み 1				
1828	1.6412	2.22795	-3.4381	
35648_at	AB007902	26053	Hs.32168	
C	ST		自閉症関連タンパク	
質 1				
1829	1.09321	1.49801	-2.40788	
36537_at	AB011093	23370	Hs.6150	
C	ST		Rho特異的 グアニン	
ヌクレオチド交換因子 p114				
1830	1.63669	2.14732	-2.58848	
31750_at	Z98744	3009	Hs.131956	
C	ST		"H1ヒストンファミリ	
ー, メンバー5"				
1831	1.82363	2.34832	-2.60411	
32721_at	AA151922	9140	Hs.264482	
C	ST		APG12 自家融解 12	
様 (S.cerevisiae)				
1832	1.61991	2.10861	-2.49201	
38841_at	AF068195	10422	Hs.9194	
C	ST	C	推定グリア芽細胞	
腫細胞分化関連				
1833	1.76725	2.21618	-2.98195	
36314_at	U04806	2323	Hs.428	
C	ST		fms関連チロシンキナー	
ゼ 3リガンド				
1834	2.39173	3.0723	-4.72249	
41338_at	AI951946			
C	ST			
1835	1.78409	2.26131	-3.19886	
38893_at	AL008637	1439	Hs.285401	
C	ST		"コロニー刺激因子	
2レセプター, β , 低親和性(顆粒球-マクロファージ)"				
1836	1.34855	1.76181	-2.45061	

	41045_at	U77643	6398	Hs.95655
	C	ST		分泌および膜貫通 1
1837	2.14089	2.71181		-3.2928
	39601_at	AF061836	11186	Hs.26931
	C	ST		Ras関連 (RalGDS/AF
-6)ドメインファミリー 1				
1838	2.24686	2.79509		-3.08654
	36470_s_at	U84551	1837	Hs.336678
	C	ST		"ジストロブレビン
, α "				
1839	2.00381	2.48546		-3.66555
	37374_at	M82809	307	Hs.77840
	C	ST		アネキシンA4
1840	1.89892	2.27613		-2.53045
	32143_at	AI126171	116039	Hs.3483
63	C	ST		オッドスキップ
関連2Aタンパク質				
1841	2.21335	2.6453		-4.1597
	41504_s_at	AF055376	4094	Hs.30250
	C	ST		v-maf 筋腱膜線維肉
腫オンコジーンホモログ (トリ)				
1842	1.24721	1.55359		-2.61879
	39777_at	AF075587	23077	Hs.15141
1	C	ST		KIAA0916タンパク
質				
1843	1.56055	1.8716		-2.63011
	37828_at	AL050064	54665	Hs.3623
	C	ST		仮想タンパク質FLJ11
220				
1844	2.66177	3.09624		-3.08812
	39373_at	AF035284	3992	Hs.132898
	C	ST		脂肪酸不飽和化酵
素 1				
1845	1.27765	1.56119		-2.50745
	41752_at	W28190	27069	Hs.182470
	C	ST		成長ホルモン誘導性
膜貫通タンパク質				
1846	1.8955	2.92197		-3.59336
	38337_at	U62392	7746	Hs.96448
	C	ST		ジンクフィンガータン
パク質193				
1847	1.7783	2.69698		-3.20353
	41016_at	AB007979		
C	ST			
1848	1.68617	2.51116		-2.89334
	35194_at	X53463	2877	Hs.2704
	C	ST		グルタチオン ペルオキ
シダーゼ 2 (gastro腸)				
1849	1.82691	2.6787		-2.87014
	37405_at	U29091	8991	Hs.334841

	C	ST		セレン結合タンパク質
1				
1850	2.17893	3.21105	-3.7557	
	38406_f_at	AI207842	5730	Hs.8272
	C	ST		"プロスタグランジ
	ン D2シンターゼ (21kD, 脳)"			
1851	1.44854	2.33249	-3.52859	
	38717_at	AL050159	25840	Hs.28877
1	C	ST		DKFZP586A0522タ
	ンパク質			
1852	1.7613	2.53876	-2.64458	
	37826_at	AF020761	7321	Hs.129683
	C	ST		"ユビキチン結合酵
	素E2D 1(UBC4/5ホモログ, 酵母)"			
1853	2.05749	3.21032	-4.46053	
	661_at	L13698	2619	Hs.65029
	C	ST	C	成長停止特異的 1
1854	2.28825	3.47204	-4.40618	
	33103_s_at	U37122	120	Hs.324470
	C	ST		アデューシン 3 (γ
	)			
1855	1.25351	1.84838	-2.47276	
	40098_at	AF001434	10938	Hs.15511
9	C	ST		EH-ドメイン含有
1				
1856	1.73874	2.45504	-2.62486	
	32765_f_at	W28330	10404	Hs.19733
5	C	ST		血漿グルタミン酸
	カルボキシペプチダーゼ			
1857	1.64755	2.3287	-2.569	
	39913_at	AI951712	9394	Hs.6363
	C	ST		ヘパラン硫酸6-O-スル
	ホトランスフェラーゼ			
1858	3.13278	4.61628	-6.01419	
	33396_at	U12472	2950	Hs.226795
	C	ST	C	グルタチオン S-ト
	ランスフェラーゼpi			
1859	1.47181	2.18707	-2.9145	
	37268_at	U43368	7423	Hs.78781
	C	ST		血管内皮成長因子B
1860	2.44581	3.63171	-4.84332	
	32533_s_at	AF054825	10791	Hs.746
69	C	ST		小胞関連膜タン
	パク質 5(myobrevin)			
1861	1.98996	2.82944	-3.16845	
	38027_at	X53742	2192	Hs.79732
	C	ST		フィブリン 1
1862	1.4572	2.21416	-3.09752	
	37842_at	AF054589	29969	
	C	ST		I-mfaドメイン含有タンパク

質				
1863	1.52728	2.214	-2.59076	
36667_at	U47025	5834	Hs.75658	
C	ST		"ホスホリラーゼ, グリ	
コーゲン; 脳"				
1864	1.27858	2.0224	-3.07153	
31814_i_at	AB009462	4037	Hs.14364	
1	C	ST	低密度リボタンパ	
ク質レセプター関連タンパク質 3				
1865	1.65708	2.42311	-2.87733	
41637_at	AF108145	28955	Hs.11902	
C	ST		MYLEタンパク質	
1866	2.61169	3.76924	-5.21063	
829_s_at	U21689	2950	Hs.226795	
C	ST	C	グルタチオン S-ト	
ランスフェラーゼpi				
1867	1.12998	1.65265	-2.42963	
38251_at	AI127424	140465	Hs.9031	
8	C	ST	ミオシン軽鎖 1 s	
low a				
1868	1.61824	2.32709	-3.00117	
38690_at	AL080097	56650	Hs.10739	
3	C	ST	染色体 3 オープ	
ンリーディングフレーム4				
1869	1.8706	2.60507	-2.87775	
36803_at	L77561	25786	Hs.83775	
C	ST		DiGeorge症候群遺伝子	
D				
1870	1.27574	2.04624	-2.59692	
37200_at	J04162	2215	Hs.372679	
C	ST		"IgGのFcフラグメン	
ト, 低親和性IIIb, レセプター(CD16)"				
1871	1.49407	2.29479	-2.52311	
459_s_at	U68485	274	Hs.193163	
C	ST	C	架橋インテグレータ	
ー 1				
1872	1.65525	2.58839	-2.79507	
41358_at	AI827730	54805	Hs.27122	
1	C	ST	サイクリン M2	
1873	1.542	2.42371	-2.66276	
35346_at	AB007856	10116	Hs.6048	
C	ST		fem-1ホモログ b (C.	
elegans)				
1874	2.06236	3.32507	-3.81917	
41722_at	U40490	23530	Hs.18136	
C	ST		ニコチンアミドヌク	
レオチドトランスヒドロゲナーゼ				
1875	1.67346	2.64025	-2.87553	
33058_at	Y17282	9119	Hs.145949	
C	ST		サイトケラチンI型I	

1876	1.15939	1.96473	-2.61362
32730_at	AL080059	85453	Hs.17309
4 C	ST		KIAA1750タンパク
質			
1877	1.73441	2.71028	-2.83479
31979_at	D49818	5210	Hs.198278
C	ST		"6-ホスホフルクト-2
-キナーゼ/フルクトース-2,6-ビスホスファターゼ4"			
1878	1.29123	2.16929	-2.81788
32628_at	D28118	7716	Hs.6557
C	ST		ジンクフィンガータン
パク質161			
1879	1.47857	2.3678	-2.52852
41818_at	AW024347	29775	Hs.57973
C	ST		カスパーゼ補充ドメ
インタンパク質10			
1880	1.37123	2.30712	-2.63053
39928_at	X77748	2913	Hs.3786
C	ST		"グルタミン酸レセプタ
ー, 代謝調節型3"			
1881	1.00982	1.798	-2.47394
33243_at	AF099935	25816	Hs.17839
C	ST		TNF誘導タンパク質
1882	1.80569	3.15629	-4.04739
38375_at	AF112219	2098	Hs.82193
C	ST	C	エステラーゼ D/ホ
ルミルグルタチオンヒドロラーゼ			
1883	2.03831	3.3483	-3.68079
34925_at	AB003062	4660	Hs.130760
C	ST	C	"プロテインホスフ
ァターゼ1, 調節因子(インヒビター)サブユニット 12B"			
1884	1.55204	2.63883	-3.21765
38322_at	AI093155	11048	
C	ST		JM27タンパク質
1885	1.48737	2.46471	-2.26935
38115_at	AF055479	11334	Hs.8186
C	ST		肺癌候補物
1886	1.8278	3.1024	-3.12666
33365_at	AB023162	22893	Hs.22109
C	ST		KIAA0945タンパク質
1887	0.723323	1.64208	-2.8719
40304_at	M69225	667	Hs.198689
C	ST		水疱性類天疱瘡抗原 1
(230/240kD)			
1888	1.27032	2.26168	-2.61083
34034_at	D80011	9754	Hs.95140
C	ST		KIAA0189遺伝子産物
1889	2.09085	3.57106	-4.07261
518_at	U07132	7376	Hs.100221
C	ST		"核レセプターサブファ

ミリー1, 群H, メンバー2"

1890	2.06268	3.51192	-4.015
38407_r_at	AI207842	5730	Hs.8272
C	ST		"プロスタグランジン

D2シンターゼ(21kD, 脳)"

1891	1.06006	1.91646	-2.52575
36081_s_at	AB004848	54093	Hs.507
48 C	ST		染色体 21 オー

ブンリーディングフレーム18

1892	2.24196	4.12108	-5.43767
38802_at	Y12711	10857	Hs.90061
C	ST	C	プロゲステロンレセ

プター膜成分 1

1893	1.28569	2.23756	-2.61283
38166_r_at	AF010403	8085	Hs.1536
38 C	ST		骨髄/リンパ性白

血病または 混合系統型白血病 2

1894	2.04998	3.8462	-5.21247
1363_at	M87770	2263	Hs.278581
C	ST	C	"線維芽細胞成長因子

レセプター2 (細菌発現キナーゼ, ケラチノサイト 成長因子レセプター, 頭蓋顔面骨形成不全 1, Crouzon症候群, Pfeiffer症候群, Jackson-Weiss症候群)"

1895	1.50503	2.8884	-4.11267
31684_at	M62896	303	Hs.348252
C	ST		アネキシンA2 偽遺伝子

1

1896	-0.910425	-3.10699	3.44273
39178_at	L10333	6252	Hs.99947
T	TSB		レチキュロン 1

1897	-0.928109	-2.87665	2.92563
41771_g_at	AA420624	4128	Hs.18
3109 T	TSB	T	モノアミン

オキシダーゼ A

1898	-0.860185	-3.01502	3.39232
34258_at	W28205	4289	Hs.288791
T	TSB		"ムスケリン 1,

細胞内メディアータ含有kelchモチーフ"

1899	-0.618394	-2.47977	3.05642
40912_s_at	X81372	670	Hs.35133
4 T	TSB		ビフェニルヒド

ロラーゼ様 (セリンヒドロラーゼ; 胸部上皮ムチン関連抗原)

1900	-0.99464	-3.15089	3.31643
37678_at	U23070	25805	Hs.78776
T	TSB		推定膜貫通タンパ

ク質

1901	-1.10259	-3.29727	3.28317
40422_at	X16302	3485	Hs.162
T	TSB	T	インスリン様成長因

子結合タンパク質2(36kD)

1902	-1.18221	-3.98009	4.39441

36561_at	X73424	5096	Hs.63788
T	TSB	T	"プロピオニル補酵
素 A カルボキシラーゼ, β ポリペプチド"			
1903	-0.894553	-3.185	3.67431
32141_at	AB028995	22843	Hs.16635
1 T	TSB		KIAA1072タンパ
ク質			
1904	-1.07116	-3.14832	3.13627
32051_at	AJ224875	79053	Hs.1553
56 T	TSB		仮想タンパク質
MGC2840 推定グリコシルトランスフェラーゼと類似			
1905	-1.21341	-3.89151	4.18712
31916_at	AF047445	10748	Hs.1592
97 T	TSB		"キラー細胞レ
クチン様レセプターサブファミリーA, メンバー1"			
1906	-0.881544	-3.15768	3.71023
38843_at	AL079310	10042	Hs.922
60 T	TSB		高移動度群タン
パク質 2様 1			
1907	-1.02108	-2.88356	2.72577
41214_at	M58459	6192	Hs.180911
T	TSB		"リボソームタンパ
ク質 S4,Y-linked"			
1908	-1.17409	-3.26227	3.02167
36576_at	AF054174	9555	Hs.75258
T	TSB		"H2Aヒストンファ
ミリー, メンバーY"			
1909	-0.755047	-2.42114	2.59325
182_at	U01062	3710	Hs.77515
T	TSB	T	"イノシトール 1,4,
5-三リン酸レセプター, 3型"			
1910	-2.052	-5.92927	6.22327
37366_at	AL049969		
T	TSB		
1911	-0.598134	-2.07756	2.5677
32361_s_at	D87012	8940	Hs.19468
5 T	TSB		トポイソメラー
ゼ (DNA)III β			
1912	-1.14178	-3.17904	3.14514
36767_at	K03191	1543	Hs.72912
T	TSB		"シトクロムP450,
サブファミリーI(芳香族化合物誘導性), ポリペプチド 1"			
1913	-1.74503	-4.95836	5.04124
160028_s_at	X12949	5979	Hs.3503
21 T	TSB		"ret プロトオ
ンコジーン (多発性内分泌腫瘍および髄質甲状腺癌1, Hirschsprung病)"			
1914	-0.923511	-2.59191	2.59376
37244_at	AA746355	7347	Hs.7791
7 T	TSB		ユビキチン カル
ボキシル末端 エステラーゼ L3 (ユビキチン チオールエステラーゼ)			

1915	-1.08271	-3.21127	3.27437
36962_at	U24105	1314	Hs.75887
T	TSB	T	"コートマータンパ
ク質複合体, サブユニット α "			
1916	-1.35015	-4.16246	4.39115
1468_at	U12595	10131	Hs.182366
T	TSB	T	ヒートショックタ
ンパク質 75			
1917	-1.51822	-4.13473	3.82816
32162_r_at	AI817548		
T	TSB		
1918	-0.782123	-2.41189	2.55066
40817_at	M96824	4924	Hs.172609
T	TSB		ヌクレオバインデ
ィン 1			
1919	-1.23279	-3.53714	3.53159
33678_i_at	X02344	10383	Hs.2516
53	T	T	"チューブリン
, β , 2"			
1920	-0.937815	-2.96742	3.2498
1684_s_at	X69950	51352	Hs.25157
3	T		Wilms腫瘍関連タ
ンパク質			
1921	-1.5469	-4.37046	4.32395
35643_at	X76732	4925	Hs.3164
T	TSB	T	ヌクレオバインディ
ン 2			
1922	-0.961367	-3.15422	3.62229
1188_g_at	X84740	3980	Hs.10029
9	T	T	"リガーゼIII,
DNA, ATP依存性"			
1923	-1.0826	-2.78271	2.4652
33423_g_at	AF052155	6396	Hs.22794
9	T	T	SEC13様 1 (S.
cerevisiae)			
1924	-1.49504	-4.86094	5.02388
34291_at	U07424	2193	Hs.23111
T	TSB		フェニルアラニン-t
RNAシンテターゼ様			
1925	-0.793518	-2.69028	2.91284
1013_at	U59913	4090	Hs.37501
T	TSB		"MAD, decapentaple
gicホモログ 5に対する母体(Drosophila)"			
1926	-1.64749	-6.06586	6.95768
36174_at	X70326	65108	Hs.75061
T	TSB		マクロファージミ
リストイル化アラニンリッチ Cキナーゼ 基質			
1927	-1.38358	-4.19736	4.09701
39073_at	AL038662	4830	Hs.11863
8	T	T	"非転移性細胞

1, タンパク質 (NM23A) 発現"

1928	-0.99083	-3.67717	4.17328
36784_at	J03071	1442	Hs.347963
T	TSB		絨毛性体乳腺発育
ホルモン1 (胎盤性ラクトゲン)			
1929	-1.30024	-3.86773	3.6261
38104_at	U78302	1666	Hs.81548
T	TSB		"2,4-ジエニル CoA
レダクターゼ 1, ミトコンドリア"			
1930	-0.688017	-2.30969	2.41798
41178_at	X79234	6135	Hs.179943
T	TSB		リボソームタンパ
ク質 L11			
1931	-1.39659	-4.86061	5.24083
39812_at	X79865	6182	Hs.109059
T	TSB	T	ミトコンドリアリ
ボソームタンパク質L12			
1932	-0.378163	-1.9327	2.60049
39146_at	U72936	546	Hs.96264
T	TSB		"α サラセミア/精神
遅滞症候群 X結合(RAD54ホモログ, <i>S. cerevisiae</i>)"			
1933	-0.915022	-2.73813	2.51044
41359_at	Z98265	11187	Hs.26557
T	TSB		プラコフィリン 3
1934	-0.638117	-2.25644	2.41304
36587_at	Z11692	1938	Hs.75309
T	TSB	T	真核生物翻訳延長
因子2			
1935	-1.26693	-3.43553	2.86349
35808_at	AL031681	6431	Hs.6891
T	TSB		"スプライシング因
子, アルギニン/セリンリッチ6"			
1936	-0.823474	-2.65851	2.64848
41106_at	AF022797	3783	Hs.1008
T	TSB		"カリウム中間体
/低伝導度カルシウム依存性チャネル, サブファミリーN, メンバー4"			
1937	-1.0642	-3.63971	3.82767
33121_g_at	AF045229	6001	Hs.8228
T	TSB	T	Gタンパク質シ
グナル伝達の調節因子 10			
1938	-1.70482	-5.40283	5.3066
40060_r_at	AF061258	10611	Hs.154
T	TSB	T	LIMタンパク
質 (ラットプロテインキナーゼC-結合エニグマに類似)			
1939	-0.636692	-2.70728	3.29172
612_s_at	M19650	1267	Hs.179600
T	TSB		"2',3'-環状ヌク
レオチド 3' ホスホジエステラーゼ"			
1940	-1.2097	-4.34436	4.5547
40666_at	AF039918	957	Hs.80975

	T	TSB		エクトヌクレオシド
三リン酸 ジホスホヒドロラーゼ 5				
1941	-0.805777		-2.87948	2.98921
	31685_at	Y08976	54738	Hs.23475
9	T	TSB		FEVタンパク質
1942	-1.25068		-3.78062	3.46581
	41750_at	D49489	10130	Hs.182429
	T	TSB	T	タンパク質ジス
ルフィドイソメラーゼ関連タンパク質				
1943	-1.50545		-4.8294	4.66313
	31527_at	X17206	6187	Hs.182426
	T	TSB		リボソームタンパク
質 S2				
1944	-0.829778		-2.95745	3.11262
	34346_at	U42412	5571	Hs.3136
	T	TSB		"プロテインキナー
ゼ, AMP活性化, γ 1 非触媒性サブユニット"				
1945	-1.13423		-3.65642	3.52856
	37040_at	D42041	23193	Hs.76847
	T	TSB	T	KIAA0088タンパク
質				
1946	-0.803062		-2.46174	2.25825
	38694_at	AB018281	9747	Hs.1074
79	T	TSB		KIAA0738遺伝子
産物				
1947	-1.30335		-4.41644	4.35279
	36626_at	X87176	3295	Hs.75441
	T	TSB	T	ヒドロキシステロ
イド (17- β) デヒドロゲナーゼ4				
1948	-1.50579		-5.18794	5.15707
	1980_s_at	X58965	4831	Hs.275163
	T	TSB	C	"非転移性細胞 2
, タンパク質 (NM23B) 発現"				
1949	-1.36405		-4.31952	3.98212
	37569_at	AF035606	10016	Hs.8001
9	T	TSB		プログラム細胞
死 6				
1950	-0.842761		-2.92003	2.85063
	34255_at	AF059202	8694	Hs.2886
27	T	TSB		ジアシルグリセ
ロール 0-アシルトランスフェラーゼホモログ1 (マウス)				
1951	-0.729196		-2.56553	2.56083
	504_at	U39318	7323	Hs.118797
	T	TSB		"ユビキチン結合酵
素E2D 3(UBC4/5ホモログ, 酵母)"				
1952	-0.738531		-2.78338	2.93122
	38771_at	D50405	3065	Hs.88556
	T	TSB	T	ヒストン デアセチ
ラーゼ 1				
1953	-0.986541		-2.89986	2.44661

	37214_g_at	X90392	1774	Hs.7709
1	T	TSB	T	デオキシリボス
	クレアーゼ I様1			
1954	-1.07164	-6.23643	6.24219	
	37741_at	M77836	5831	Hs.79217
	T	TSB		リロリン-5-カルボ
	キシレートレダクターゼ 1			
1955	-0.955999	-4.43483	3.98186	
	1739_at	M99487	2346	Hs.1915
	T	TSB	T	葉酸ヒドロラーゼ(
	前立腺特異的 膜抗原) 1			
1956	-0.985404	-4.75277	4.50349	
	40587_s_at	AF054186	9521	Hs.29
8581	T	TSB	T	真核生物翻
	訳伸長因子1 ε 1			
1957	-0.385172	-2.52453	2.71298	
	175_s_at	U33053	5585	Hs.2499
	T	TSB	T	プロテインキナー
	ゼC様 1			
1958	-0.992408	-4.85299	4.61466	
	37668_at	M69039	708	Hs.78614
	T	TSB		"補体成分1, q 小成
	分結合タンパク質"			
1959	-0.667644	-4.12307	4.34624	
	33023_at	AI095013	8336	Hs.1349
99	T	TSB		"H2Aヒストンフ
	ァミリー, メンバーN"			
1960	-1.01171	-4.33884	3.75729	
	33912_at	Y13834	10269	Hs.25846
	T	TSB		"亜鉛メタロプロテ
	イナーゼ(STE24ホモログ, 酵母)"			
1961	-0.664005	-3.42551	3.29678	
	37811_at	AF042792	9254	Hs.1274
36	T	TSB		"カルシウムチ
	ャネル, 電位依存性, α 2/ δ サブユニット 2"			
1962	-0.744957	-4.92917	5.24554	
	266_s_at	L33930	934	Hs.286124
	T	TSB		CD24抗原 (小細胞
	肺癌クラスター 4抗原)			
1963	-0.745394	-3.75686	3.56006	
	34167_s_at	AA984230		
	T	TSB		
1964	-0.53492	-3.75899	4.10859	
	34368_at	U31814	3066	Hs.3352
	T	TSB		ヒストンデアセチラ
	ーゼ 2			
1965	-0.640825	-3.0226	2.79914	
	40010_s_at	L76569	2334	Hs.54472
	T	TSB		脆弱X精神遅滞 2
1966	-0.917921	-3.84953	3.5122	

	41526_at	AF072836	10362	Hs.3231
7	T	TSB	T	高移動度群 20B
1967	-0.781141	-3.08787	2.69004	
	39060_at	D38048	5695	Hs.118065
	T	TSB	T	"プロテアソーム
	(プロソーム, マクロペイン)サブユニット, β 型, 7"			
1968	-0.812904	-3.37253	3.00161	
	665_at	L20321	6787	Hs.1087
	T	TSB		セリン/トレオニンキ
	ナーゼ2			
1969	-0.47993	-2.69059	2.83395	
	1887_g_at	U53476	7476	Hs.72290
	T	TSB		"ウイングレス型 M
	MTV統合部位ファミリー, メンバー7A"			
1970	-0.284164	-2.15708	2.51871	
	33126_at	L13435	55830	Hs.28373
7	T	TSB		グリコシルトラ
	ンスフェラーゼAD-017			
1971	-0.841104	-3.72229	3.39538	
	35313_at	AB002308	9919	Hs.5716
	T	TSB	T	KIAA0310遺伝子
	産物			
1971	-0.841104	-3.72229	3.39538	
	35313_at	AB002308	9919	Hs.5716
	T	TSB	T	KIAA0310遺伝子
	産物			
1972	-0.777606	-3.07077	2.58558	
	38000_at	S72370	5091	Hs.89890
	T	TSB		推定カルボキシラ
	ーゼ			
1973	-0.495454	-2.40782	2.30518	
	36512_at	L32179	13	Hs.587
	T	TSB		アリアルアセトアミド
	デアセチラーゼ (エステラーゼ)			
1974	-0.648134	-2.54651	2.15408	
	1173_g_at	M77693	6303	Hs.28491
	T	TSB	T	スペルミジン/ス
	ベルミン N1-アセチルトランスフェラーゼ			
1975	-1.13145	-5.09525	4.74426	
	1644_at	U36764	8668	Hs.192023
	T	TSB	T	"真核生物翻訳開始
	因子3,サブユニット2 (β , 36kD)"			
1976	-0.683365	-2.80971	2.46809	
	37174_at	D14660	9801	Hs.75574
	T	TSB	T	ミトコンドリアリ
	ボソームタンパク質L19			
1977	-0.74769	-3.35935	3.34851	
	41766_at	D55649	4122	Hs.295605
	T	TSB		"マンノシダーゼ,
	α , クラス2A, メンバー2"			

1978	-1.05856	-3.77721	3.23384
40527_at	AF000571	3784	Hs.15611
5 T	TSB		"カリウム電位型
チャンネル, KQT様サブファミリー, メンバー1"			
1979	-0.670037	-3.14991	3.24682
33747_s_at	AJ006835	8420	Hs.19
6769 T	TSB		"RNA, U17D
小核小体"			
1980	-0.65198	-3.74339	4.25515
33466_at	AF038182	90355	Hs.2592
5 T	TSB		AF038182に支持
される仮想遺伝子;BC009203			
1981	-1.41793	-5.81104	5.57684
33611_g_at	AL049977	9073	Hs.162
209 T	TSB		クラウディン
8			
1982	-1.05986	-4.71114	4.74583
41812_s_at	AB020713	23225	Hs.56
966 T	TSB		KIAA0906タン
パク質			
1983	-1.04061	-4.707	4.85006
40774_at	X74801	7203	Hs.1708
T	TSB		"シャペロニン含有TCP1
,サブユニット 3 (γ)"			
1984	-0.655431	-2.61761	2.49359
38622_at	W28953		
T	TSB		
1985	-0.74264	-3.12526	3.07716
34608_at	M24194	10399	Hs.5662
T	TSB	T	"グアニンヌクレオ
チド結合タンパク質(Gタンパク質), βポリペプチド 2様 1"			
1986	-0.532634	-2.3919	2.44825
37049_g_at	U58970	10953	Hs.7692
7 T	TSB	T	ミトコンドリ
ア外膜の転位酵素34			
1987	-1.61171	-7.21206	7.35116
575_s_at	M93036	4072	Hs.692
T	TSB		腫瘍関連カルシウムシ
グナルトランスデューサー 1			
1988	-0.615287	-2.65915	2.65128
36203_at	X16277	4953	Hs.75212
T	TSB	T	オルニチン脱炭酸
酵素 1			
1989	-0.196331	-1.8232	2.40052
156_s_at	U64871	2842	Hs.92458
T	TSB		Gタンパク質結合型
レセプター-19			
1990	-0.826106	-3.5232	3.28518
36635_at	AB023173	23200	Hs.7547
8 T	TSB	T	"ATPase, クラ

スVI, 型11B"

1991	-0.480338	-2.57392	2.77944
35262_at	AF022229	3692	Hs.5215
T	TSB		インテグリン β
4結合タンパク質			
1992	-1.17625	-5.35371	5.28938
442_at	X15187	7184	Hs.82689
T	TSB	T	腫瘍拒絶抗原 (gp96)
1			
1993	-0.710179	-2.41549	1.92485
35298_at	U54558	8664	Hs.55682
T	TSB		"真核生物翻訳開始
因子3,サブユニット7 (ζ , 66/67kD)"			
1994	-0.716068	-3.00102	2.80739
31569_at	U76362	6512	Hs.104637
T	TSB		"溶質キャリアフ
ファミリー1 (グルタミン酸トランスポーター),メンバー7"			
1995	-0.926837	-3.80592	3.51715
40198_at	L06132	7416	Hs.149155
T	TSB	T	電位依存性アニ
オンチャネル1			
1996	-0.48943	-2.42062	2.49054
39805_at	AF070598	10058	Hs.1079
11	T	TSB	"ATP-結合カセ
ット, サブファミリーB(MDR/TAP), メンバー6"			
1997	-0.833153	-3.0355	3.06027
434_at	X03473	3005	Hs.226117
T	TSB		"H1ヒストンファミリ
ー, メンバー0"			
1998	-0.631598	-2.92848	3.41817
468_at	U66198	2258	Hs.6540
T	TSB		線維芽細胞成長因子 1
3			
1999	-0.879078	-2.63873	2.22625
36572_r_at	D31885	23204	Hs.752
49	T	TSB	ADP-リボシル化
因子様 6 相互作用タンパク質			
2000	-0.790161	-2.4849	2.20126
38269_at	AL050147	25865	Hs.9114
6	T	TSB	プロテインキナ
ーゼD2			
2001	-1.29694	-5.28379	5.68616
38716_at	AB018330	10645	Hs.1087
08	T	TSB	T
カルモジュリン依存性 プロテインキナーゼキナーゼ 2, β "			
2002	-0.934763	-3.32173	3.26132
35759_at	AF026166	10576	Hs.645
6	T	TSB	T
含有TCP1,サブユニット2 (β)"			
2003	-0.87732	-2.84854	2.5846

40644_g_at	M34480	3674	Hs.785
T	TSB		"インテグリン, α 2b
(IIb/IIIa複合体の血小板糖タンパク質IIb, 抗原CD41B)"			
2004	-0.616323	-2.37732	2.47578
34251_at	M92299	3215	Hs.22554
T	TSB		ホメオボックス B5
2005	-1.15711	-3.97907	3.67486
34307_at	U81006	9375	Hs.28757
T	TSB	T	膜貫通 9スーパー
ファミリーメンバー2			
2006	-0.91771	-2.99636	2.64652
1832_at	M62397	4163	Hs.1345
T	TSB		結腸癌における変異型
2007	-1.32261	-4.90737	4.82627
497_at	U32680	1201	Hs.194660
T	TSB	T	"セロイド脂褐素症,
ニューロン 3, 若年性(Batten, Spielmeyer-Vogt病)"			
2008	-0.671252	-2.42868	2.34319
38641_at	AJ133115	81628	Hs.102
447 T	TSB		TSC-22様
2009	-0.584327	-2.81652	3.21254
35907_at	Z36714	899	Hs.1973
T	TSB		サイクリン F
2010	-1.05869	-3.80494	3.62563
1913_at	U47414	901	Hs.79069
T	TSB	T	サイクリン G2
2011	-0.98719	-3.70013	3.64999
652_g_at	L07493	6119	Hs.1608
T	TSB		複製タンパク質 A3 (
14kD)			
2012	-0.447892	-2.48073	3.05671
37233_at	AF079167	4973	Hs.7772
9 T	TSB		酸化低密度リポ
タンパク質 (レクチン様)レセプター1			
2013	-0.613513	-2.95598	3.43017
39925_at	M95610	1298	Hs.37165
T	TSB		"コラーゲン, I型X,
α 2"			
2014	-0.872993	-2.82091	2.49147
31782_at	U31099	5729	Hs.158326
T	TSB		プロスタグランジ
ン D2レセプター(DP)			
2015	-0.978631	-3.69109	3.75187
35871_s_at	AF011390	8671	Hs.54
62 T	TSB	T	"溶質キャリア
ファミリー4, 炭酸水素ナトリウム共輸送体, メンバー4"			
2016	-0.771794	-3.28849	3.60228
37068_at	U24577	7941	Hs.93304
T	TSB		"ホスホリパーゼ A
2, VII群 (血小板活性化因子アセチルヒドロラーゼ, 血漿)"			

2017		-0.799793		-2.81415	2.69575
	35615_at		D50914	23246	Hs.30736
	T		TSB		増殖のブロック 1
2018		-0.877829		-2.43794	1.82748
	36849_at		U90920	9411	Hs.70983
	T		TSB		PTPL1関連 RhoGAP
1					
2019		-1.12261		-4.00202	3.5681
	36614_at		X87949	3309	Hs.75410
	T		TSB		"ヒートショック 70k
Dタンパク質 5 (グルコース調節タンパク質,78kD)"					
2020		-0.925839		-3.02202	2.49288
	859_at		U03688	1545	Hs.154654
	T		TSB	T	"シトクロムP450,
サブファミリーI(ジオキシン誘導性), ポリペプチド 1 (緑内障 3, 初感染)"					
2021		-0.862676		-3.05389	2.69751
	36267_at		X77909	4795	Hs.2764
	T		TSB		B細胞インヒビター
様における κ 軽ポリペプチド遺伝子エンハンサーの核因子 1					
2022		-0.520487		-2.45658	2.6236
	33428_s_at		AF034957	8455	Hs.194
019	T		TSB		アトラクチン
2023		-1.08381		-4.15431	3.89989
	38831_f_at		AF053356	2056	Hs.230
3	T		TSB		エリスロポイエ
チン					
2024		-0.921322		-3.49256	3.24876
	35323_at		U78525	8662	Hs.57783
	T		TSB	T	"真核生物翻訳開
始因子3,サブユニット9 (η , 116kD)"					
2025		-1.39758		-5.47916	5.32222
	38753_at		AF039022	11260	Hs.8595
1	T		TSB		"エクスポーチン
, tRNA (tRNAに対する核エクスポートレセプター)"					
2026		-0.887112		-3.59351	3.57426
	40119_at		AJ006470	10491	Hs.155
481	T		TSB		軟骨関連タン
パク質					
2027		-0.666824		-3.05738	3.24465
	1773_at		L00635	2342	Hs.276
	T		TSB		"ファルネシルラン
スフェラーゼ,CAAXボックス, β "					
2028		-0.819845		-2.78037	2.39528
	32624_at		AL050050	26134	Hs.167
031	T		TSB		DKFZp566D133
タンパク質					
2029		-0.780137		-3.36277	3.53095
	31873_at		U52112	393	Hs.3109
	T		TSB		Rho GTPase活性化タ
ンパク質4					

2030	-1.02478	-4.09795	4.0929
781_at	X98001	5876	Hs.78948
T	TSB		"Rab ゲラニルゲラニル
トランスフェラーゼ, β サブユニット "			
2031	-1.73996	-7.48623	7.84078
37639_at	X07732	3249	Hs.823
T	TSB	T	"ヘプシン (膜貫通
プロテアーゼ, セリン1)"			
2032	-0.874349	-3.55567	3.59577
37897_s_at	AI985964	7033	Hs.35
2107	T	TSB	三葉型因子 3
(腸)			
2033	-0.790576	-2.77471	2.49752
33815_at	J03626	7372	Hs.2057
T	TSB		ウリジンーリン酸シ
ンテターゼ (オロチン酸ホスホリボシルトランスフェラーゼおよびオロチジン-5'-脱炭酸			
酵素)			
2034	-0.843434	-3.33601	3.30011
39428_at	AF055581	10019	Hs.131
31	T	TSB	リンパ球アダプ
タータンパク質			
2035	-0.764501	-2.87784	2.74629
493_at	U29171	1453	Hs.75852
T	TSB		"カゼインキナーゼ 1
, δ "			
2036	-1.32517	-4.76901	4.46622
32246_g_at	AF014837	56339	Hs.26
8149	T	TSB	推定メチルト
ランスフェラーゼ			
2037	-1.00125	-4.01478	4.07285
41772_at	M68840	4128	Hs.183109
T	TSB	T	モノアミンオキシ
ダーゼ A			
2038	-0.477315	-2.29694	2.58654
37758_s_at	W28479	7027	Hs.7935
3	T	TSB	転写因子Dp-1
2039	-0.947466	-3.47245	3.31724
32151_at	X82260	5905	Hs.183800
T	TSB	T	Ran GTPase活性
化タンパク質1			
2040	-0.672895	-2.48471	2.39348
1180_g_at	Y00371	3312	Hs.18041
4	T	TSB	ヒートショック
70kDタンパク質 8			
2041	-1.06133	-2.44686	2.23075
41495_at	W37606	58487	Hs.29417
T	TSB		HCF結合転写因子Zh
angfei			
2042	-0.655617	-1.99538	2.4916
38169_s_at	U76368	6542	Hs.15398

5	T	TSB		"溶質キャリアフ
	ァミリー7 (カチオン性アミノ酸トランスポーター,y+系), メンバー2"			
2043	-1.84214	-5.17191	6.02465	
	38218_at	M97347	2650	Hs.159642
	T	TSB		"グルコサミニル(N
	-アセチル) トランスフェラーゼ1, コア 2 (β-1,6-N-アセチルグルコサミニルトランス			
	フェラーゼ)"			
2044	-1.50059	-3.67861	3.63063	
	31397_at	AL022151		
	T	TSB		
2045	-1.43334	-3.52485	3.66181	
	40167_s_at	AF038187	55884	Hs.13
6644	T	TSB		CSボックス含
	有WDタンパク質			
2046	-1.69944	-4.64996	5.39289	
	40663_at	AF010233	9185	Hs.80667
	T	TSB		RALBP1関連Epsド
	メイン含有2			
2047	-0.966238	-2.57267	2.92375	
	673_at	J04031	4522	Hs.172665
	T	TSB		"メチレンテトラヒ
	ドロ葉酸デヒドロゲナーゼ (NADP+依存性), メテニルテトラヒドロ葉酸シクロヒドロラー			
	ゼ, ホルミルテトラヒドロ葉酸シンテターゼ"			
2048	-0.98677	-2.41582	2.4656	
	778_s_at	D16827	6755	Hs.241375
	T	TSB		ソマトスタチンレセ
	プター5			
2049	-0.952919	-2.41848	2.58085	
	41323_at	U90917	2305	Hs.239
	T	TSB		フォークヘッドボッ
	クスM1			
2050	-0.812397	-2.14906	2.41001	
	31724_at	L38518	6469	Hs.121539
	T	TSB		ソニックヘッジホ
	ッグホモログ(Drosophila)			
2051	-1.20301	-3.1589	3.33724	
	39905_i_at	AA402332	26286	Hs.130
14	T	TSB		ADPリボシル化
	因子GTPase活性化タンパク質1			
2052	-1.19025	-3.22357	3.44696	
	39740_g_at	AF054187	4666	Hs.329
16	T	TSB	T	新生ポリペプ
	チド関連複合体 αポリペプチド			
2053	-0.744344	-2.16102	2.48893	
	32372_at	L22569	1508	Hs.297939
	T	TSB		カテプシンB
2054	-1.35025	-3.58409	3.79829	
	41250_at	U24169	7965	Hs.301613
	T	TSB	T	JTV1遺伝子

2055	-0.796754	-2.76432	3.71854
31817_at	M82919	2562	Hs.1440
T	TSB		"γ アミノ酪酸 (GABA
) Aレセプター, β3"			
2056	-0.491553	-1.79158	2.48671
36278_at	X90846	4294	Hs.30223
T	TSB		マイトジェン活性
化プロテインキナーゼキナーゼキナーゼ10			
2057	-1.56117	-4.37692	4.56777
36660_at	AF000231	8766	Hs.75618
T	TSB	T	"RAB11A, メンバ
ーRASオンコジーンファミリー"			
2058	-1.55559	-4.05459	4.08655
35071_s_at	AF042377	2762	Hs.105
T	TSB		"GDP-マンノー
ス 4,6-デヒドラターゼ"			
2059	-0.90818	-2.71898	3.17267
36084_at	D38548	9820	Hs.51039
T	TSB		KIAA0076遺伝子産物
2060	-1.32771	-3.46473	3.47338
40329_at	AL031228	6015	Hs.35384
T	TSB		リングフィンガー
タンパク質 1			
2061	-1.08953	-2.60013	2.2962
36060_at	U51920	6729	Hs.49346
T	TSB		シグナル認識粒子 54
kD			
2062	-1.06838	-2.62591	2.40707
37343_at	U01062	3710	Hs.77515
T	TSB	T	"イノシトール 1,4
,5-三リン酸レセプター,型3"			
2063	-1.05297	-3.06576	3.41552
634_at	L41351	5652	Hs.75799
T	TSB	T	"プロテアーゼ, セリ
ン, 8 (プロスタシン)"			
2064	-0.593969	-2.13694	2.83383
36759_at	U29589	1131	Hs.7138
T	TSB		"コリン作用性レセ
プター, ムスカリン性3"			
2065	-1.13814	-3.52789	4.14168
33823_at	D12676	950	Hs.323567
T	TSB		"CD36抗原 (コラー
ゲンI型レセプター, トロンボスポンジンレセプター)様 2 (リソソーム内在性膜タンパク			
質II)"			
2066	-0.915393	-2.41415	2.37988
41382_at	AJ000342	1755	Hs.2796
T	TSB		悪性脳腫瘍にお
ける欠失型 1			
2067	-1.56189	-3.68263	3.99764
40509_at	J04058	2108	Hs.169919

	T	TSB		"電子伝達フラビン
	タンパク質, α ポリペプチド (グルタル酸尿症 II)"			
2068	-1.21821	-3.29163	4.23154	
	1931_at	U83660	10257	Hs.139336
	T	TSB		"ATP-結合カセット
	, サブファミリーC(CFTR/MRP), メンバー4"			
2069	-0.903986	-2.22791	2.58281	
	40692_at	M99439	7091	Hs.83958
	T	TSB		"トランスデューシ
	ン様エンハンサーのスプリット 4 (E(sp1) ホモログ, <i>Drosophila</i>)"			
2070	-1.45721	-3.48313	3.75946	
	1199_at	D13748	1973	Hs.129673
	T	TSB		"真核生物翻訳開始
	因子4A, アイソフォーム1"			
2071	-0.769488	-2.0485	2.53517	
	39963_at	AL022393	7746	Hs.96448
	T	TSB		ジンクフィンガー
	タンパク質193			
2072	-1.31381	-3.07053	3.24256	
	31903_at	AB014593	26039	Hs.1544
29	T	TSB		染色体18様上の
	滑膜肉腫転座遺伝子1			
2073	-1.56662	-3.58501	3.68109	
	33415_at	X58965	4831	Hs.275163
	T	TSB	C	"非転移性細胞 2,
	タンパク質(NM23B) 発現"			
2074	-1.06111	-2.63111	3.028	
	1313_at	D38048	5695	Hs.118065
	T	TSB	T	"プロテアソーム(プ
	ロソーム, マクロペイン)サブユニット, β 型, 7"			
2075	-0.856315	-2.19237	2.62446	
	1150_at	X54134	5791	Hs.31137
	T	TSB		"タンパク質チロシ
	ンホスファターゼ, レセプター型, E"			
2076	-1.26837	-3.0416	3.26925	
	41500_at	AI761818	6497	Hs.2969
	T	TSB		v-ski肉腫ウイルス
	オンコジーンホモログ (トリ)			
2077	-0.8569	-2.12943	2.40123	
	34576_at	U10693	4107	Hs.37109
	T	TSB		"黒色腫抗原, ファミ
	リー A, 8"			
2078	-1.29013	-3.05812	3.21302	
	38473_at	M63180	6897	Hs.84131
	T	TSB	T	スレオニル-tRNAシ
	ンテターゼ			
2079	-1.44061	-3.41681	3.58235	
	409_at	X56468	10971	Hs.74405
	T	TSB	T	"チロシン 3-マンノ
	オキシゲナーゼ/トリプトファン5-マンノオキシゲナーゼ活性化タンパク質, th η ポリペ			

プチド"				
2080	-1.16705	-2.73487	2.82059	
36621_at	M16961	197	Hs.324746	
T	TSB		α -2-HS-糖タンパク	
質				
2081	-1.00747	-2.4342	2.5493	
1423_at	D78514	7326	Hs.78563	
T	TSB		"ユビキチン結合酵素E2	
G 1 (UBC7ホモログ,C. elegans)"				
2082	-0.823466	-2.15956	2.50432	
32310_f_at	AI341574	5384	Hs.18	
0121	T	TSB	減数分裂後分	
離増加型 2様 6				
2083	-1.24281	-3.15876	3.52338	
37037_at	M24486	5033	Hs.76768	
T	TSB		"プロコラーゲン-プ	
ロリン, 2-オキソグルタル酸4-ジオキシゲナーゼ (プロリン4-ヒドロキシラーゼ), α ポ				
リペプチドI"				
2084	-0.97808	-2.77405	3.48307	
1768_s_at	X59932	1445	Hs.77793	
T	TSB	T	c-src チロシンキ	
ナーゼ				
2085	-1.45274	-3.58558	3.92465	
1470_at	U21090	5425	Hs.74598	
T	TSB	T	"ポリメラーゼ (DNA	
指向性), δ 2, 調節サブユニット (50kD)"				
2086	-0.952623	-2.43461	2.76042	
33809_at	AL049933	2770	Hs.2038	
62	T	TSB	"グアニンヌク	
レオチド結合タンパク質(Gタンパク質), α 阻害活性 ポリペプチド 1"				
2087	-1.1359	-2.79823	3.4452	
38644_at	U14588	5829	Hs.102497	
T	TSB	T	paxillin	
2088	-1.50106	-3.27065	3.36979	
36876_at	M55150	2184	Hs.73875	
T	TSB		フマリルアセト酢酸	
ヒドロラーゼ (フマリルアセトアセターゼ)				
2089	-0.92585	-2.19258	2.51783	
38680_at	M21259			
T	TSB			
2090	-1.67446	-3.87951	4.35084	
38275_at	AF054996	92856	Hs.9157	
9	T	TSB	染色体IVにおけ	
る仮想34.0KDAタンパク質ZK795.3と類似				
2091	-1.3578	-2.87517	2.79119	
35119_at	X56932	23521	Hs.119122	
T	TSB		リボソームタンパ	
ク質 L13a				
2092	-1.31036	-2.99238	3.22814	
40125_at	L10284	821	Hs.155560	

	T	TSB	T	カルネキシン
2093	-0.987312		-2.27994	2.46341
	40800_at	AI590869		
	T	TSB		
2094	-1.36022		-3.29818	3.80694
	41322_s_at	AI816034	55651	Hs.23
990	T	TSB	T	"核小体タン
パク質ファミリーA, メンバー2 (H/ACA小核小体 RNPs)"				
2095	-1.36312		-2.89553	2.72298
	34304_s_at	AL050290	6303	Hs.284
91	T	TSB	T	スペルミジン/
スペルミン N1-アセチルトランスフェラーゼ				
2096	-1.1919		-2.6203	2.81279
	38261_at	AF085692	8714	Hs.90786
	T	TSB		"ATP-結合カセット,
サブファミリーC(CFTR/MRP), メンバー3"				
2097	-1.31884		-2.96022	3.31786
	33699_at	M18667	5225	Hs.1867
	T	TSB		プロガストリン (ペ
プシノーゲン C)				
2098	-1.25037		-2.6293	2.64202
	32738_at	AF050640	4720	Hs.173611
	T	TSB		NADHデヒドロゲナ
ーゼ (ユビキノン)Fe-Sタンパク質 2 (49kD) (NADH-補酵素 Q レダクターゼ)				
2099	-1.30061		-3.11925	3.97522
	32966_at	L27050	319	Hs.2388
	T	TSB		アポリポタンパク質F
2100	-1.51898		-3.37037	3.87017
	39592_r_at	Z36531	10875	Hs.3518
08	T	TSB		フィブリノゲン
様2				
2101	-1.52189		-3.24544	3.50223
	35362_at	AB018342	4651	Hs.61638
	T	TSB		ミオシンX
2102	-1.12874		-2.46929	2.716
	1840_g_at	M31469	5901	Hs.10842
	T	TSB		"RAN, メンバーRASオ
ンコジーンファミリー"				
2103	-1.48867		-3.10016	3.1557
	31907_at	D87735	9045	Hs.738
	T	TSB		リボソームタンパク質
L14				
2104	-1.13055		-2.39486	2.51325
	34811_at	U09813	518	Hs.429
	T	TSB		"ATPシンターゼ, H+ 輸
送, ミトコンドリアF0複合体,サブユニット c (サブユニット 9) アイソフォーム 3"				
2105	-1.88598		-3.61303	4.33927
	40548_at	U90028	636	Hs.164975
	T	TSB		Bicaudal Dホモログ
1(Drosophila)				

2106	-1.0188	-2.20312	3.26745
38548_at	Y00498	1558	Hs.174220
T	TSB		"シトクロムP450,
サブファミリーIIC(メフェニトイン 4-ヒドロキシラーゼ), ポリペプチド 8"			
2107	-1.49507	-2.80207	3.23155
34955_at	AF071202	10257	Hs.1393
36	T	TSB	"ATP-結合カセ
ット, サブファミリーC(CFTR/MRP), メンバー4"			
2108	-1.53718	-2.80038	3.11082
37737_at	D25547	5110	Hs.79137
T	TSB		タンパク質-L-イソア
スパラギン酸(D-アスパラギン酸) O-メチルトランスフェラーゼ			
2109	-1.21242	-2.24873	2.58128
33278_at	AC004381	6296	Hs.18134
5	T	TSB	SA (rat 高血圧
関連)ホモログ			
2110	-1.3962	-2.74842	3.43046
35872_at	D50640	5140	Hs.337616
T	TSB		"ホスホジエステラ
ーゼ3B,cGMP阻害"			
2111	-1.17356	-2.34513	2.99999
1617_at	D21205	7706	Hs.1579
T	TSB		ジンクフィンガータン
パク質147 (エストロゲン応答性フィンガータンパク質)			
2112	-1.22329	-2.31203	2.62157
40569_at	M58297	7593	Hs.169832
T	TSB		ジンクフィンガー
タンパク質42 (骨髄特異的レチノイン酸応答性)			
2113	-1.10899	-2.09847	2.40232
32115_r_at	X68486	135	Hs.1613
T	TSB		アデノシンA2aレセ
プター			
2114	-1.17889	-2.32195	2.76918
893_at	M91670	27338	Hs.174070
T	TSB		ユビキチンキャリア
タンパク質			
2115	-1.42519	-2.48472	2.28605
38402_at	U36336	3920	Hs.8262
T	TSB		リソソーム関連膜タ
ンパク質 2			
2116	-2.02775	-3.9907	4.8047
40435_at	J03592	293	Hs.164280
T	TSB	T	"溶質キャリアファミ
リー25 (ミトコンドリアキャリア;アデニンヌクレオチド輸送体), メンバー6"			
2117	-1.22116	-2.57155	3.4853
33152_at	AF047432	382	Hs.89474
T	TSB	T	ADPリボシル化因子
6			
2118	-1.62168	-3.36688	4.04906
41029_at	U44798	11066	Hs.93502

	T	TSB		U1-snRNP 結合タン
パク質ホモログ(70kD)				
2119	-1.53077	-2.94432	3.0631	
35098_at		AF016917	2563	Hs.113882
	T	TSB		"γ アミノ酪酸(GA
BA) Aレセプター, δ "				
2120	-2.35112	-5.23011	6.97024	
38618_at		AC002073	3985	Hs.27802
7	T	TSB		LIMドメインキナ
ーゼ 2				
2121	-1.92068	-3.85838	4.35183	
37648_at		D63487	23170	Hs.82563
	T	TSB	T	KIAA0153タンパク
質				
2122	-1.60503	-3.03594	3.24984	
31425_g_at		AC004853	26211	Hs.15
9898	T	TSB		"嗅覚レセプ
ター, ファミリー2, サブファミリーF, メンバー1"				
2123	-1.39212	-2.75611	3.24048	
38247_at		U67058	2150	Hs.154299
	T	TSB		凝固因子 II (トロ
ンビン)レセプター様1				
2124	-1.73092	-3.33515	3.65226	
38527_at		U02493	4841	Hs.172207
	T	TSB	T	"非POUドメイン含
有, オクタマー結合"				
2125	-1.66737	-3.27692	3.71074	
36926_at		X80692	5597	Hs.271980
	T	TSB	T	マイトジェン活性
化プロテインキナーゼ6				
2126	-1.08438	-2.17161	2.5519	
435_g_at		X03473	3005	Hs.226117
	T	TSB		"H1ヒストンファミ
リー, メンバー0"				
2127	-1.46894	-2.97822	3.02146	
37656_at		D83782	22937	Hs.78442
	T	TSB		SREBP切断活性タン
パク質				
2128	-1.32655	-2.65826	2.69343	
402_s_at		X69819	3385	Hs.99995
	T	TSB	T	細胞間接着分子3
2129	-1.47938	-3.04699	3.23451	
32034_at		AF041259	7764	Hs.15504
0	T	TSB		ジンクフィンガ
ータンパク質217				
2130	-1.10607	-2.29715	2.47131	
33213_g_at		AF006751	6238	Hs.986
14	T	TSB		リボソーム結合
タンパク質1ホモログ180kD (イヌ)				
2131	-1.24666	-2.59612	2.92209	

40822_at	L41067	4775	Hs.172674
T	TSB	T	"活性化T細胞の核
因子, 細胞質, カルシニューリン依存性3"			
2132	-1.08185	-2.23874	2.47104
32830_g_at	X97544	10440	Hs.2071
6	T	TSB	ミトコンドリア
内膜 17ホモログAの転位酵素 (酵母)			
2133	-2.2403	-4.49099	4.76566
39169_at	AF054184	23480	Hs.9950
T	TSB		Sec61 γ
2134	-1.11662	-2.25643	2.48223
36480_at	X80497	5256	Hs.54941
T	TSB		"ホスホリラーゼキ
ナーゼ, α 2(liver)"			
2135	-2.68142	-5.57518	6.40686
39608_at	U80456	6493	Hs.27311
T	TSB		一意的ホモログ 2 (
Drosophila)			
2136	-1.00783	-2.41272	3.38529
32712_at	AB029029	23040	Hs.1726
19	T	TSB	ミエリン転写因
子1様			
2137	-2.44096	-4.05352	4.92112
37929_at	AB017563	23705	Hs.7033
7	T	TSB	"免疫グロブリン
スーパーファミリー, メンバー4"			
2138	-1.15012	-1.9862	2.67482
34328_s_at	L34673	6596	Hs.3068
T	TSB		"SWI/SNF関連, マト
リックス関連, クロマチンのアクチン依存性調節因子, サブファミリー-a, メンバー3"			
2139	-1.76129	-2.89328	3.47962
37017_at	M22430	5320	Hs.76422
T	TSB		"ホスホリパーゼ A2
, IIA群 (血小板s, 滑液)"			
2140	-1.59725	-2.45338	2.34526
37991_at	L38961	3703	Hs.287850
T	TSB	T	内在性膜タンパク
質1			
2141	-0.901487	-1.64844	2.60272
34908_at	AL049329	26158	Hs.128
384	T	TSB	DKFZP564G196
タンパク質			
2142	-1.69887	-2.70296	3.04505
35744_at	D50931	9812	Hs.63510
T	TSB		KIAA0141遺伝子産物
2143	-1.00643	-1.72819	2.40061
32950_at	U91935	11281	Hs.233321
T	TSB		Retina由来 POUド
メイン 因子-1			
2144	-1.03957	-1.7919	2.53159

36757_at	AL009179	8329	Hs.137592
T	TSB		"H2Aヒストンファ
ミリー, メンバーC"			
2145	-1.54884	-2.44342	2.70394
36489_at	D00860	5631	Hs.56
T	TSB		ホスホリボシルピロホ
スフェートシンテターゼ 1			
2146	-1.01135	-1.77048	2.59605
41429_at	M65254	5519	Hs.108705
T	TSB		"プロテインホスフ
ァターゼ2 (以前は2A), 調節サブユニットA (PR 65), β アイソフォーム"			
2147	-1.73816	-2.71449	3.08639
1945_at	M25753	891	Hs.23960
T	TSB		サイクリン B1
2148	-1.98822	-3.02756	3.12538
38223_at	AB024057	11138	Hs.1641
70	T	TSB	血管 Rab-GAP/T
BC含有			
2149	-1.23249	-2.02394	2.65709
35858_at	AA996066	5387	Hs.30186
2	T	TSB	減数分裂後分離
増加型 2様 9			
2150	-2.55117	-4.16686	5.22244
36432_at	AL079298	64087	Hs.1675
31	T	TSB	T
ノイル-補酵素 Aカルボキシラーゼ 2 (β)			メチルクロト
2151	-1.54197	-2.49558	3.06803
614_at	M22430	5320	Hs.76422
T	TSB		"ホスホリパーゼ A2,
IIA群 (血小板, 滑液)"			
2152	-2.18761	-3.51523	4.25456
36965_at	U13616	288	Hs.75893
T	TSB		"アンキリン 3, Ranv
ierの結節 (アンキリンG)"			
2153	-1.31679	-2.1335	2.6393
35560_at	AF070564		
T	TSB		
2154	-1.75311	-2.63618	3.08271
38614_s_at	U77413	8473	Hs.10029
3	T	TSB	T
チルグルコサミン (GlcNAc) トランスフェラーゼ (UDP-N-アセチルグルコサミン:ポリペ			0-連結 N-アセ
プチド-N-アセチルグルコサミニルトランスフェラーゼ)			
2155	-1.97882	-2.85209	2.86746
37050_r_at	AI130910	10953	Hs.76
927	T	TSB	T
リア外膜の転位酵素34			ミトコンド
2156	-1.63361	-2.50231	2.70347
36104_at	AA526497	7388	Hs.73818
T	TSB	T	ユビキノール-シ
トクロムc レダクターゼヒンジタンパク質			

2157	-2.03766	-3.29139	4.34488
37605_at	L10347	1280	Hs.81343
T	TSB		"コラーゲン, I型I,
α 1 (一次変形性関節症, 脊椎骨端異形成症, 先天性)"			
2158	-1.2521	-1.98306	2.44072
40687_at	M96789	2701	Hs.296310
T	TSB		"ギャップ結合タン
パク質, α 4,37kD (コネキシン 37)"			
2159	-1.66757	-2.59127	2.99067
39168_at	AB018328	9189	Hs.9933
T	TSB		Ac様 転移因子
2160	-1.25296	-2.03907	2.70647
1752_at	AD000092	811	Hs.16488
T	TSB		カルレチキュリン
2161	-1.34406	-2.14563	2.89128
2025_s_at	M80261	328	Hs.73722
T	TSB		APEXヌクレアーゼ (
多機能性DNA修復酵素)			
2162	-1.86699	-2.81934	3.05339
729_i_at	M55405	4584	Hs.349106
T	TSB		"ムチン 3A, 腸"
2163	-3.03741	-4.77155	5.97264
37720_at	M22382	3329	Hs.79037
T	TSB	T	ヒートショック 60
kDタンパク質 1 (シャペロニン)			
2164	-1.61959	-2.44274	2.6718
40458_at	U43185	6776	Mm.29884
T	TSB		シグナルトランスデ
ューサーおよび転写の活性化因子 5A			
2165	-2.76812	-5.12316	7.01287
41706_at	AJ130733	23600	Hs.1287
49	T	TSB	T
ル-CoAラセマーゼ			
2166	-1.84157	-3.26202	4.09303
1174_at	J00119	4342	Hs.248146
T	TSB		v-mos Moloneyマウ
ス肉腫ウイルスオンコジーンホモログ			
2167	-1.5311	-2.61832	3.01147
470_at	U66468	10669	Hs.159525
T	TSB		EF-ハンドドメイン
を含む細胞増殖調節因子			
2168	-1.40092	-2.53521	3.37423
33932_at	X17644	2935	Hs.2707
T	TSB		G1~S期遷移 1
2169	-2.10595	-3.63564	4.394
39056_at	X53793	10606	Hs.117950
T	TSB	T	SAICARシンテター
ゼおよびAIR カルボキシラーゼに類似の多機能性ポリペプチド			
2170	-1.45189	-2.53898	3.14873
37533_r_at	D86980	23508	Hs.7917

0	T	TSB		KIAA0227タンパク質
2171				
	32631_at	J03060	2630	
	T	TSB		"グルコシダーゼ, β ; 酸, 偽遺伝子"
2172				
	33414_at	X57398	23420	Hs.227823
	T	TSB		pM5タンパク質
2173				
	31818_at	AI024916		2.78569
	T	TSB		
2174				
	38041_at	U41514	2589	Hs.80120
	T	TSB	T	UDP-N-アセチル- α -D-ガラクトサミン:ポリペプチドN-アセチルガラクトサミニルトランスフェラーゼ 1 (GalNAc-T1)
2175				
	41609_at	U15085	3109	Hs.1162
	T	TSB		"主要組織適合性複合体, クラスII, DM β "
2176				
	34411_at	Y10387	9061	Hs.3833
	T	TSB		3'-ホスホアデノシン
5'-ホスホスルフェートシンターゼ1				
2177				
	39843_at	AI819249	9244	Hs.11494
8	T	TSB		サイトカインレセプター様因子 1
2178				
	31882_at	AJ001340	9136	Hs.15376
8	T	TSB		U3 snoRNP関連 5
5-kDaタンパク質				
2179				
	1473_s_at	U22376	4602	Hs.1334
	T	TSB		v-myb 骨髄芽球症ウ
イルスオンコジーンホモログ (トリ)				
2180				
	35809_g_at	AL031681	6431	Hs.689
1	T	TSB		"スプライシング因子, アルギニン/セリンリッチ6"
2181				
	41242_at	AB011004	6675	Hs.21293
	T	TSB	T	UDP-N-アセチル
グルコサミンピロホスホリラーゼ 1				
2182				
	37543_at	D25304	9459	Hs.79307
	T	TSB		Rac/Cdc42 グアニン
交換因子(GEF) 6				
2183				

6	41243_at	AB007916	9906	Hs.21464
産物	T	TSB		KIAA0447遺伝子
2184		-1.94299	-3.3351	3.58308
	33837_at	AF069765	6731	Hs.237825
	T	TSB		シグナル認識粒子
	72kD			
2185		-1.14578	-2.05689	2.47927
	35572_f_at	AF038951	56242	Hs.35
1376	T	TSB		ジンクフィン
	ガータンパク質253			
2186		-2.67513	-1.46567	2.37508
	41319_at	AI034226	5911	Hs.35537
3	T	TSB		"RAP2A, RASオン
	コジーンファミリーのメンバー"			
2187		-2.72423	-1.56807	2.24523
	36654_s_at	M29065	3181	Hs.23240
0	T	TSB		異種核リボ核タ
	ンパク質A2/B1			
2188		-2.31957	-1.19373	2.63341
	31352_at	S79281		
	T	TSB		
2189		-2.8051	-1.71099	2.12868
	37338_at	D61391	5635	Hs.77498
	T	TSB		ホスホリボシルピロ
	ホスフェートシンテターゼ関連タンパク質 1			
2190		-2.70324	-1.52094	2.71635
	38719_at	U03985	4905	Hs.108802
	T	TSB		N-エチルマレイミ
	ド感受性因子			
2191		-2.34163	-1.28235	2.48743
	643_at	L76571	8431	Hs.11930
	T	TSB		"核レセプターサブフ
	ファミリー0,group B, メンバー2"			
2192		-2.51247	-1.44392	2.73523
	35245_at	M16967	2153	Hs.30054
	T	TSB		"凝固因子 V (プロ
	アクセレリン, 不安定因子)"			
2193		-3.17715	-1.87481	2.94022
	569_g_at	M80335	5566	Hs.77271
	T	TSB		"プロテインキナー
	ゼ, cAMP依存性, 触媒性, α "			
2194		-2.51157	-1.4834	2.40449
	39453_at	W25841		
T	TSB			
2195		-2.4154	-1.44161	2.74164
	33131_at	X70683	6659	Hs.83484
	T	TSB	T	SRY (性決定領域Y)
	ボックス 4			
2196		-3.01032	-1.90594	3.0108

36008_at	AF041434	11156	Hs.43666
T	TSB	T	"タンパク質チロ
シンホスファターゼIV型A, メンバー3"			
2197	-2.60941	-1.60663	3.00706
38803_at	AF052142	83988	Hs.9006
3 T	TSB		ニューロカルシ
ン δ			
2198	-2.71935	-1.77703	2.53396
38542_at	U89322		
T	TSB		
2199	-2.61469	-1.77527	2.61155
37916_at	AI086057	3163	Hs.28427
9 T	TSB		ヘムオキシゲナ
ーゼ(deサイクリング)2			
2200	-2.40025	-1.59845	2.40438
34779_at	R90942	27090	Hs.3972
T	TSB		"シアリルトランス
フェラーゼ7D((α-N-アセチルニューラミニル-2,3-β-ガラクトシル-1,3)-N-アセチル			
ガラクトサミニドα-2,6-シアリルトランスフェラーゼ)"			
2201	-2.7752	-1.8564	2.71284
34956_at	T77051		T
TSB			
2202	-2.4037	-1.60565	2.36149
39522_at	D49817	5209	Hs.195471
T	TSB		"6-ホスホフルクト-
2-キナーゼ/フルクトース-2,6-ビスホスファターゼ3"			
2203	-2.40565	-1.51839	3.01
40726_at	U37426	3832	Hs.8878
T	TSB		キネシン様 1
2204	-2.67306	-1.80624	2.56625
36017_at	AF055016	57213	Hs.4423
5 T	TSB		CLLL6タンパク質
2205	-3.72519	-2.56854	3.91804
32219_at	D50927	9874	Hs.18895
T	TSB		トウスル様キナーゼ
1			
2206	-2.70041	-1.81621	3.1514
41177_at	AW024285	79888	Hs.17988
2 T	TSB	T	仮想タンパク質
FLJ12443			
2207	-3.43932	-2.40916	3.76352
40436_g_at	J03592	293	Hs.164280
T	TSB	T	"溶質キャリアフ
ァミリー25 (ミトコンドリアキャリア;アデニンヌクレオチド輸送体), メンバー6"			
2208	-3.34612	-2.32922	3.56956
37740_r_at	J02683	292	Hs.79172
T	TSB		"溶質キャリアフ
ミリー25 (ミトコンドリアキャリア;アデニンヌクレオチド輸送体), メンバー5"			
2209	-3.68201	-2.70148	3.86833
297_g_at	X79535	7280	Hs.336780

	T	TSB		"チューブリン, β
ポリペプチド"				
2210	-3.38402	-2.31576	4.45409	
36464_at		X94323	10321	Hs.54431
T		TSB		特異的顆粒タンパ
ク質 (28kDa)				
2211	-1.97961	-1.36801	2.59237	
40904_at		AI857673	26121	Hs.1834
38	T	TSB		プレ-mRNAプロ
セシング因子 31ホモログ(酵母)				
2212	-2.42017	-1.85682	2.4928	
39856_at		AI708983	6166	Hs.336628
T		TSB		リボソームタンパ
ク質 L36a				
2213	-2.37333	-1.78132	2.63632	
33013_at		M86808	5161	Hs.131361
T		TSB		ビルビン酸デヒド
ロゲナーゼ (リポアミド) α 2				
2214	-2.84557	-2.14822	2.91115	
993_at		X54637	7297	Hs.75516
T		TSB		チロシンキナーゼ 2
2215	-2.4679	-1.869	2.44802	
33207_at		AI095508	5611	Hs.9683
T		TSB	T	"DnaJ (Hsp40) ホモロ
グ, サブファミリーC, メンバー3"				
2216	-2.66703	-2.07749	3.11395	
32352_at		X52730	5409	Hs.1892
T		TSB		フェニルエタノール
アミン N-メチルトランスフェラーゼ				
2217	-2.06929	-1.55261	2.92988	
35806_at		W26854	26003	Hs.6880
T		TSB		DKFZP434D156タンパ
ク質				
2218	-2.72826	-2.144	3.28997	
38310_at		AB014591	4849	Hs.343571
T		TSB		"CCR4-NOT転写複合
体, サブユニット3"				
2219	-2.35403	-1.87159	2.77776	
40621_at		U63809	5074	Hs.176090
T		TSB		"PRKC, アポトーシ
ス, WT1, 調節因子"				
2220	-2.81205	-2.35188	3.40873	
40552_s_at		AL049987		
T		TSB		
2221	-2.53966	-2.02876	3.4781	
746_at		D50640	5140	Hs.337616
T		TSB		"ホスホジエステラー
ゼ3B, cGMP阻害"				
2222	-2.61671	-2.12393	3.13193	
37884_f_at		AI375033	29798	Hs.14

5567	T	TSB		仮想タンパク
質				
2223	-2.02356	-2.87838	3.67118	
798_at	X74330	5557	Hs.82741	
T	TSB		"プライマーゼ, ポリ	
ペプチド 1(49kD)"				
2224	-2.0294	-2.84316	3.4981	
33431_at	U05291	2331	Hs.230	
T	TSB		フィブロモジュリン	
2225	-1.848	-2.60922	3.31611	
34867_at	AI041520	2170	Hs.49881	
T	TSB		"脂肪酸結合タンパ	
ク質3, 筋肉および心臓(哺乳動物由来の成長抑制物質)"				
2226	-2.36781	-3.28998	3.8378	
1044_s_at	U31556	1875	Hs.2331	
T	TSB		"E2F 転写因子5, p13	
0-結合"				
2227	-1.38377	-1.98067	2.64149	
32560_s_at	W30959	25804	Hs.7671	
9 T	TSB		U6 snRNA関連 Sm	
様タンパク質				
2228	-2.17594	-3.06795	3.48672	
38708_at	AF054183	5901	Hs.10842	
T	TSB		"RAN, メンバーRA	
Sオンコジーンファミリー"				
2229	-2.26471	-3.30845	4.43122	
37426_at	U80736	27324	Hs.110826	
T	TSB		トリヌクレオチド	
繰り返し含有 9				
2230	-1.38067	-2.05286	2.9089	
40525_at	AC004490			
T	TSB			
2231	-1.73363	-2.45562	2.88538	
37562_at	L11370	5097	Hs.79769	
T	TSB	T	プロトカドヘリン	
1 (カドヘリン様 1)				
2232	-1.25294	-2.00197	3.35962	
2046_at	M21536			
T	TSB			
2233	-1.94945	-2.69405	2.64564	
254_at	M11353	3020	Hs.181307	
T	TSB		"H3ヒストン, ファミ	
リー3A"				
2234	-2.01521	-2.9812	3.97523	
41281_s_at	AF060502	5192	Hs.2472	
20 T	TSB		ペルオキシソー	
ム生物発生因子10				
2235	-1.29146	-1.91238	2.57987	
1839_at	M31469	5901	Hs.10842	
T	TSB		"RAN, メンバーRASオ	

ンコジーンファミリー"

2236	-1.77539	-2.61333	3.05809
39739_at	AF054187	4666	Hs.32916
T	TSB	T	新生ポリペプチ
ド関連複合体 αポリペプチド			
2237	-1.18176	-1.81209	2.53609
1359_at	U32659	3605	Hs.41724
T	TSB		インターロイキン17
(細胞傷害性Tリンパ球関連セリンエステラーゼ8)			
2238	-2.29741	-3.37638	4.1221
35829_at	AL080181	23705	Hs.70337
T	TSB		"免疫グロブリン
スーパーファミリー,メンバー4"			
2239	-2.21227	-3.1713	3.5078
38084_at	AA648295	11335	Hs.278554
T	TSB		"クロモボックス
ホモログ 3(HP1 γホモログ, Drosophila)"			
2240	-1.83947	-2.43458	2.49342
41370_at	AF090988	9410	Hs.10290
T	TSB		U5 snRNP特異的 4
0 kDaタンパク質(hPrp8-結合)			
2241	-2.45262	-3.2515	3.56379
34761_r_at	U41766	8754	Hs.2442
T	TSB		ジスインテグリンお
よびメタロプロテイナーゼドメイン 9 (メルトリン γ)			
2242	-1.4669	-1.98722	2.47782
951_at	D88378	9491	Hs.75925
T	TSB		"プロテアソーム(プロ
ソーム, マクロペイン)インヒビターサブユニット1 (PI31)"			
2243	-2.14517	-2.89599	3.75236
38270_at	AF005043	8505	Hs.91390
T	TSB	T	ポリ(ADPリボー
ス) グリコヒドロラーゼ			
2244	-2.15698	-2.9158	3.70013
36581_at	U09510	2617	Hs.283108
T	TSB		グリシル-tRNAシン
テターゼ			
2245	-1.92978	-2.47423	2.96404
33894_at	AJ010046	10276	Hs.2515
5 T	TSB	T	神経上皮細胞形
質転換遺伝子 1			
2246	-2.62837	-3.34595	4.02042
36918_at	Y15723	2982	Hs.75295
T	TSB	T	"グアニル酸シクラ
ーゼ 1,soluble, α 3"			
2247	-1.78045	-2.2438	2.52593
40049_at	X76104	1612	Hs.153924
T	TSB		死関連 プロテイン
キナーゼ1			
2248	-1.62717	-2.10702	2.8882

41700_at	M62424	2149	Hs.128087
T	TSB	T	凝固因子 II (トロ
ンビン)レセプター			
2249	-1.85516	-2.34083	2.72971
35502_at	U29700	269	Hs.123014
T	TSB		"抗ミューラー型ホル
モンレセプター, I型I"			
2250	-1.54782	-2.0488	2.5138
39783_at	D43947	9703	Hs.151761
T	TSB		KIAA0100遺伝子産物
2251	-1.70314	-2.20835	2.63715
33719_at	AF010242	11346	Hs.5307
T	TSB		シナプトポジン
2252	-2.31248	-3.00997	3.47001
34791_at	X52882	6950	Hs.4112
T	TSB		t-複合体 1
2253	-1.84993	-2.38073	2.63971
35780_at	AF035292	23363	Hs.6654
T	TSB		KIAA0657タンパク
質			
2254	-1.80974	-2.3227	2.4775
37046_at	AI246726	5686	Hs.76913
T	TSB		"プロテアソーム(プ
ロソーム, マクロペイン)サブユニット, α型, 5"			
2255	-1.17547	-1.6381	2.71214
34220_at	AL080140	25944	Hs.21695
T	TSB		DKFZP434L243タン
パク質			
2256	-1.35721	-1.83759	2.68131
33559_at	U61412	5753	Hs.51133
T	TSB		PTK6タンパク質 チ
ロシンキナーゼ 6			
2257	-2.02584	-2.37004	2.92916
31982_at	AB020701	22833	Hs.1991
17	T	TSB	KIAA0894タンパ
ク質			
2258	-1.81	-2.13039	2.69817
36783_f_at	M55422	51351	Hs.250693
T	TSB		Krueppel関連ジン
クフィンガータンパク質			
2259	-2.07244	-2.44358	2.75985
730_r_at	M55405	4584	Hs.349106
T	TSB		"ムチン 3A, 腸"
2260	-1.32819	-1.6074	2.43488
40792_s_at	AF091395	7204	Hs.3676
89	T	TSB	三官能性ドメイ
ン (PTPRF 相互作用)			
2261	-1.59418	-1.95065	2.69992
36671_at	M27396	440	Hs.75692
T	TSB	T	アスパラギンシンテ

ターゼ				
2262	-2.40917	-2.92627	4.06599	
914_g_at	M21535	2078	Hs.45514	
T	TSB		v-ets 赤芽球症ウイ	
ルスE26オンコジーンlike (トリ)				
2263	-1.43535	-1.75255	2.53876	
1442_at	X99101	2100	Hs.103504	
T	TSB		エストロゲンレセプ	
ター 2 (ER β)				
2264	-2.18238	-2.63378	3.02103	
40074_at	X16396	10797	Hs.154672	
T	TSB	T	"メチレンテトラ	
ヒドロ葉酸デヒドロゲナーゼ (NAD+依存性), メテニルテトラヒドロ葉酸シクロヒドロラ				
ーゼ"				
2265	-1.85252	-2.26045	2.7333	
37322_s_at	X82460	3248	Hs.77348	
T	TSB		ヒドロキシプロス	
タグランジンデヒドロゲナーゼ 15-(NAD)				
2266	-2.14489	-2.66311	3.28328	
35307_at	Y13286	2665	Hs.56845	
T	TSB		GDP解離 インヒビタ	
ー 2				
2267	-1.80584	-2.27007	3.01992	
36751_at	AF035154	8786	Hs.65756	
T	TSB		Gタンパク質シグ	
ナル伝達の調節因子11				
2268	-1.43525	-1.82603	2.46622	
1196_at	D00591	1104	Hs.84746	
T	TSB	T	染色体凝縮 1	
2269	-1.83648	-2.31799	3.04976	
33017_at	AI040379	2822	Hs.27252	
T	TSB		グリコシルホス	
9				
ファチジルイノシトール特異的ホスホリパーゼ D1				
2270	-2.49327	-3.19064	4.62191	
32566_at	AA165701	79586	Hs.7718	
T	TSB		仮想タンパク質FL	
J22678				
2271	-1.97764	-2.51812	3.52799	
35570_at	AB026257	10599	Hs.1374	
T	TSB		"溶質キャリア	
25				
ファミリー21 (有機アニオン輸送体), メンバー6"				
2272	-2.2342	-2.4508	2.73021	
39996_at	U82812	922	Hs.52002	
T	TSB		CD5抗原様 (スカベンジ	
ャーレセプターシステインリッチファミリー)				
2273	-1.71695	-1.92942	2.76242	
38085_at	AI740522	11335	Hs.2785	
T	TSB		"クロモボック	
54				
スホモログ 3(HP1 γ ホモログ, Drosophila)"				

2274	-2.26609	-2.48358	2.4675
37964_at	W25793	10336	Hs.8834
T	TSB	T	リングフィンガー
ンパク質 3			
2275	-2.31217	-2.65528	3.47285
241_g_at	M64231	6723	Hs.76244
T	TSB	T	スベルミジンシン
ターゼ			
2276	-1.72405	-1.96651	2.63229
35545_at	AB018282	9498	Hs.13213
6 T	TSB		"溶質キャリアフ
ァミリー4, 炭酸水素ナトリウム共輸送体, メンバー8"			
2277	-1.65197	-1.88289	2.42545
33818_at	AC004472	2189	Hs.8047
T	TSB		"Fanconi 貧血, 相
補群G"			
2278	-1.6994	-1.86709	2.86797
36345_g_at	U34038	2150	Hs.154299
T	TSB		凝固因子 II (ト
ロンビン)レセプター様1			
2279	-2.04272	-2.20997	2.53785
33155_at	M95740	3425	Hs.89560
T	TSB		"イズロニダーゼ, α
-L-"			
2280	-2.36418	-2.50816	3.19815
36928_at	X70394	7705	Hs.301819
T	TSB	T	ジंकフィンガー
タンパク質146			
2281	-1.79376	-1.93692	2.65593
40976_at	AF052432	10300	Hs.2756
75 T	TSB		カタニン p80 (
WD40含有)サブユニット B1			
2282	-3.61397	-3.87007	5.15989
296_at	X79535	7280	Hs.336780
T	TSB		"チューブリン, βポ
リペプチド"			
2283	-2.22879	-2.382	2.78254
35306_at	AB001636	1665	Hs.5683
T	TSB		DEAD/H (Asp-Glu-Ala
-Asp/His)ボックス ポリペプチド15			
2284	-1.77825	-1.83376	2.94468
34297_at	U87460	2861	Hs.27747
T	TSB		Gタンパク質結合型
レセプター-37 (エンドセリンレセプター型B様)			
2285	-2.76583	-2.90198	3.49644
39718_r_at	N98607	9553	Hs.14454
T	TSB		ミトコンドリアリ
ボソームタンパク質L33			
2286	-2.10233	-2.20967	2.89154
33661_at	U66589	6125	Hs.180946

	T	TSB		リボソームタンパ
ク質 L5				
2287	-1.93044	-2.00297	2.61549	
	39748_at	AL050021		
	T	TSB		
2288	-2.28031	-2.37896	2.97619	
	40943_at	AA009569	79071	Hs.2115
56	T	TSB		仮想タンパク質
MGC5487				
2289	-1.74364	-1.81606	2.42322	
	1464_at	S73149		
T	TSB			
2290	-3.13728	-2.73017	3.65755	
	41152_f_at	T89651	6173	Hs.17839
1	T	TSB		リボソームタン
パク質 L44				
2291	-2.23863	-1.92354	2.97253	
	40921_at	AI739548	8555	Hs.22116
	T	TSB		CDC14 細胞分裂周
期14ホモログ B(S. cerevisiae)				
2292	-1.82217	-1.54557	2.56081	
	37950_at	X74496	5550	Hs.86978
	T	TSB		プロリルエンドペプ
チダーゼ				
2293	-2.11616	-1.81823	2.52377	
	35794_at	AB023159	23362	Hs.6763
	T	TSB		KIAA0942タンパク
質				
2294	-2.26077	-2.01584	2.55146	
	36097_at	M62831	9592	Hs.737
	T	TSB		最初期タンパク質
2295	-1.8365	-1.62522	2.48424	
	41403_at	AI032612	6636	Hs.105465
	T	TSB		核内低分子リボタ
ンパク質ポリペプチド F				
2296	-1.70678	-1.51671	3.06051	
	33991_g_at	U22961		
	T	TSB		
2297	-2.79146	-2.53827	2.98618	
	1642_at	U35113	9112	Hs.101448
	T	TSB		転移関連 1
2298	-3.29938	-3.11854	4.11979	
	39331_at	X79535	7280	Hs.336780
	T	TSB		"チューブリン, β
ポリペプチド"				
2299	-1.83877	-1.69458	2.41929	
	936_s_at	M98528	27065	Hs.79404
	T	TSB		ニューロン特異的
タンパク質				
2300	-2.46602	-2.28228	3.6752	

1225_g_at	X66363	5127	Hs.171834
T	TSB	T	PCTAIRE プロテ
ンキナーゼ1			
2301	-2.16499	-2.00976	3.0974
33147_at	U00951	51663	Hs.173518
T	TSB		ジンクフィンガー
RNA結合タンパク質			
2302	-2.20941	-2.05453	2.86004
40021_at	AJ005898	3750	Hs.55276
T	TSB		"カリウム電位型
チャンネル,Shal関連サブファミリー,メンバー1"			
2303	-2.23209	-2.07749	2.7534
38779_r_at	D16431	3068	Hs.89525
T	TSB		肝臓癌由来の成長
因子 (高移動度群タンパク質1様)			
2304	-2.44897	-2.35514	3.91875
36383_at	M17254	2078	Hs.45514
T	TSB		v-ets 赤芽球症ウイ
ルスE26オンコジーン様(トリ)			
2305	-1.78903	-1.76471	2.40366
1719_at	U61981	4437	Hs.42674
T	TSB		mutSホモログ 3 (E.
coli)			
2306	-1.80673	-1.79958	2.41302
35470_at	AA418537	3356	Hs.29862
T	TSB		5-ヒドロキシト
リプタミン (セロトニン)レセプター2A			
2307	-1.98426	-1.99095	2.66243
1710_s_at	U07804	7150	Hs.317
T	TSB	T	トポイソメラーゼ (
DNA) I			
2308	-2.02033	-2.02565	2.43006
1509_at	D83646	4325	Hs.90800
T	TSB		マトリックスメタロ
プロテイナーゼ16(膜挿入)			
2309	0.0251586	-4.09095	2.99868
37855_at	M95767	1486	Hs.135578
T	TS		"キトビアーゼ, ジ
ーN-アセチルー"			
2310	0.256289	-4.49463	3.71583
36852_at	U42349	7991	Hs.71119
T	TS		推定前立腺癌腫瘍サ
プレッサ			
2311	0.201579	-2.71166	2.32465
37825_at	M84443	2585	Hs.129228
T	TS		ガラクトキナーゼ 2
2312	0.0575571	-3.5522	2.59936
31583_at	X67247	6202	Hs.151604
T	TS		リボソームタンパク
質 S8			

2313		0.183344		-4.95139		3.81818
	37917_at		AC004982		54468	Hs.8393
7	T		TS			仮想タンパク質
2314		0.065689		-4.23286		3.09959
	37760_at		AB015019		10458	Hs.7936
	T		TS			BAI1関連タンパク
質 2						
2315		0.166884		-2.44926		2.01598
	32676_at		M93405		4329	Hs.293970
	T		TS	T		メチルマロン酸セ
	ミアルデヒドデヒドロゲナーゼ					
2316		0.0915847		-5.78789		4.29188
	36484_at		AI935146		2591	Hs.2786
11	T		TS			UDP-N-アセチル-
	α-D-ガラクトサミン:ポリペプチドN-アセチルガラクトサミニルトランスフェラーゼ 3 (GalNAc-T3)					
2317		0.374284		-4.59317		3.92803
	1902_at		M13194		2067	Hs.59544
	T		TS	T		"切除修復 相互補完
	げっ歯類修復欠損,相補群 1 (重複するアンチセンス配列を含む)"					
2318		0.28007		-4.50863		3.70624
	40503_at		X66276		4604	Hs.169849
	T		TS			"ミオシン結合タンパ
	ク質C, 遅延型"					
2319		0.468646		-3.30346		3.14834
	31421_at		X52005		4635	Hs.356717
	T		TS			"ミオシン, 軽ポリ
	ペプチド 4, アルカリ;心房, 胚"					
2320		0.316753		-2.87241		2.58443
	35108_at		AF019382		8512	Hs.11621
8	T		TS			"マンノース結合
	レクチン (プロテインA)1, 偽遺伝子 1"					
2321		0.028993		-2.72153		1.98647
	32745_at		AF034091		8699	Hs.19500
	T		TS			口蓋心顔面症候群
	において欠失された核局在化シグナル					
2322		0.172414		-2.68431		2.20537
	31732_at		X00948		6019	Hs.127032
	T		TS			リラキシン 2 (H2)
2323		0.113824		-4.45628		3.13285
	41453_at		U49089		1741	Hs.272438
	T		TS			"ディスク,大 (Dro
	sophila)ホモログ 3(神経内分泌-dlg)"					
2324		0.299884		-3.24374		2.64212
	37874_at		Z47553		2330	Hs.14286
	T		TS	T		フラビン含有マンノ
	オキシゲナーゼ 5					
2325		0.0906059		-2.92384		2.09805
	33319_at		AF009674		8312	Hs.1844

34	T	TS		アキシシ
2326	0.34738	-4.79816	3.7625	
34358_at	Z49254	6150	Hs.3254	
T	TS	T	ミトコンドリアリボソ	
ームタンパク質L23				
2327	0.353245	-3.43311	2.86921	
32893_s_at	M30474	2679	Hs.28909	
8	T	TS	γ グルタミルトラ	
ンスフェラーゼ 2				
2328	0.616579	-3.32343	3.27865	
38332_at	U83993	5025	Hs.321709	
T	TS	T	"プリンレセプター	
P2X, リガンド依存性イオンチャネル, 4"				
2329	0.32652	-4.62832	3.67896	
38455_at	AL049650	79175	Hs.31716	
9	T	TS	仮想タンパク質MG	
C10715				
2330	0.199365	-3.82799	2.92579	
31477_at	L08044	7033	Hs.352107	
T	TS		三葉型因子 3 (腸)	
2331	0.384968	-5.07272	4.05613	
32135_at	U00968	6720	Hs.166	
T	TS	T	ステロール調節因子エ	
レメント結合転写因子1				
2332	0.115335	-4.30712	3.09244	
33424_at	Y00281	6184	Hs.2280	
T	TS	T	リボホリン I	
2333	0.369006	-5.76386	4.48528	
34739_at	W26023	54874	Hs.239681	
T	TS		仮想タンパク質FLJ	
20275				
2334	0.390412	-4.20064	3.47596	
41732_at	AA310786			
T	TS			
2335	0.354506	-2.65964	2.37962	
32657_at	D25278	9657	Hs.169387	
T	TS		KIAA0036遺伝子産物	
2336	0.273378	-5.70044	4.27601	
33631_at	AF023612	10907	Hs.5074	
T	TS		S. pombe dim1+と	
類似				
2337	0.186467	-4.31633	3.19642	
39040_at	W28360	51465	Hs.184325	
T	TS	T	非正準ユビキチン	
結合酵素 1				
2338	0.44477	-4.8551	4.05095	
39267_at	AF102265	26089	Hs.237323	
T	TS		N-アセチルグルコ	
サミンホスフェートムターゼ				
2339	0.313261	-4.0276	3.26396	

40229_at	AJ010071	10040	Hs.15350
4 T	TS		myb1様の標的 1 (
トリ)			
2340	0.0261245	-2.98464	2.07764
36506_at	AJ131693	10142	Hs.581
03 T	TS		Aキナーゼ (PRKA
)アンカータンパク質(yotiao)9			
2341	0.0716898	-4.45728	3.16406
39756_g_at	Z93930	7494	Hs.1499
23 T	TS	T	Xボックス 結合
タンパク質1			
2342	0.0481155	-4.3213	3.03006
39906_r_at	AA402332	26286	Hs.13
014 T	TS		ADPリボシル化
因子GTPase活性化タンパク質1			
2343	0.5712	-4.12829	3.80195
32916_at	X54134	5791	Hs.31137
T	TS		"タンパク質チロシンホ
スファターゼ, レセプター型,E"			
2344	0.0256246	-3.94016	2.75517
610_at	M15169	154	Hs.2551
T	TS	T	"アドレナリン作用性,
β-2-,レセプター,表面"			
2345	0.0374694	-3.04807	2.16193
37971_at	AL050089	11177	Hs.885
8 T	TS		"ジンクフィンガ
ードメインに隣接するプロモドメイン, 1A"			
2346	0.161322	-3.98926	3.00089
39039_s_at	AI557497	51465	Hs.18
4325 T	TS	T	非正準ユビキ
チン結合酵素 1			
2347	0.154184	-3.43113	2.60859
41646_at	AA576724	51347	Hs.1204
0 T	TS		STE20様キナーゼ
2348	0.245802	-2.61296	2.20318
160030_at	X06562	2690	Hs.125180
T	TS		成長ホルモンレセ
プター			
2349	0.481703	-6.06835	4.97862
691_g_at	J02783	5034	Hs.75655
T	TS	T	"プロコラーゲン-プ
ロリン, 2-オキシグルタル酸4-ジオキシゲナーゼ (プロリン4-ヒドロキシラーゼ), βポ			
リペプチド (タンパク質ジスルフィドイソメラーゼ;甲状腺ホルモン結合タンパク質p55)			
"			
2350	0.34061	-5.30863	4.21427
33674_at	Z49148	6159	Hs.350068
T	TS		リボソームタンパク
質 L29			
2351	0.325979	-2.94488	2.56804
39978_at	U05659	3293	Hs.477

	T	TS		ヒドロキシステロイド
(17-β)デヒドロゲナーゼ3				
2352	0.315053		-6.1383	4.83486
	36491_at	D82345	11013	Hs.56145
	T	TS	T	"サイモシン, β,
神経芽腫細胞で同定された"				
2353	0.324717		-3.96008	3.28663
	40758_at	X81788	3396	Hs.9078
	T	TS		未成熟結腸癌転写物 1
2354	0.0364804		-2.43	1.75694
	37581_at	X92972	5537	Hs.80324
	T	TS		"プロテインホスファタ
ーゼ6, 触媒性サブユニット"				
2355	0.289777		-4.51136	3.62346
	33904_at	AB000714	1365	Hs.25640
	T	TS		クラウドイン3
2356	0.221793		-5.67528	4.32259
	39356_at	AB007899	23327	Hs.1201
7	T	TS		"神経前駆体細胞
発現, 発達のダウンレギュレートされる4様"				
2357	0.281642		-3.22869	2.72654
	37016_at	D13900	1892	Hs.76394
	T	TS		"エノイル補酵素 A
ヒドラターゼ, 短鎖, 1, ミトコンドリア"				
2358	0.19467		-3.13892	2.51491
	34780_at	AB002313	23654	Hs.3989
	T	TS		プレキシシン B2
2359	0.0834444		-3.20788	2.55486
	35158_at	Y00664	4613	Hs.25960
	T	TS		"v-myc 骨髓球腫症
ウイルス関連オンコジーン, 神経芽腫由来 (トリ)"				
2360	0.0654919		-3.95897	3.08675
	39563_at	D87742	23124	Hs.24155
2	T	TS	T	KIAA0268タンパ
ク質				
2361	0.460453		-3.17896	3.19261
	37427_at	AB023193	22854	Hs.1112
24	T	TS		ネトリン G1
2362	-0.0980416		-4.66301	3.33769
	36515_at	AJ238764	10020	Hs.59
20	T	TS		UDP-N-アセチル
グルコサミン-2-エピメラーゼ/N-アセチルマンノサミンキナーゼ				
2363	0.215594		-4.62674	3.86173
	868_at	U13991	6881	Hs.89657
	T	TS	T	"TAF10 RNA ポリメラ
ーゼ II, TATAボックス 結合タンパク質 (TBP) 関連因子, 30 kD"				
2364	0.112588		-6.40578	5.02545
	36666_at	M22806		
T	TS			
2365	0.0812608		-3.36448	2.6806

38281_at	U67319	840	Hs.9216
T	TS		"カスパーゼ 7, アポト
ーシス関連システインプロテアーゼ"			
2366	0.0864589	-3.10174	2.46359
40703_at	M33875	5949	Hs.857
T	TS		"レチノール結合タン
パク質3, 間質性"			
2367	-0.00514388	-6.7747	5.03994
33632_g_at	AF023612	10907	Hs.
5074	T	TS	S. pombe dim1
+に類似			
2368	0.242358	-2.5438	2.31871
33914_r_at	D00726	2235	Hs.26
T	TS		血尿 (プロトポルフィ
リン症)			
2369	0.0206065	-5.48302	4.12149
857_at	S87759	5494	Hs.57764
T	TS		"プロテインホスファ
ターゼ1A (以前は2C), マグネシム依存性, α アイソフォーム"			
2370	0.25799	-4.25691	3.62192
1741_s_at	S37730		
T	TS		
2371	0.118163	-3.4386	2.73597
32437_at	U14970	6193	Hs.76194
T	TS		リボソームタンパク質
S5			
2372	0.0968716	-2.92349	2.3283
31885_at	M64572	5774	Hs.153932
T	TS		"タンパク質チロシ
ンホスファターゼ, 非レセプター型 3"			
2373	0.145418	-2.79143	2.31276
35810_at	AI525393	10094	Hs.6895
T	TS	T	"アクチン関連タ
ンパク質 2/3複合体, サブユニット3 (21 kD)"			
2374	-0.0839548	-2.48524	1.69219
40828_at	D63476	8874	Hs.17281
3	T	TS	Rho グアニンヌク
レオチド交換因子 (GEF) 7			
2375	0.361944	-5.16789	4.45806
38464_at	X87237	7841	Hs.83919
T	TS		グルコシダーゼ I
2376	-0.00216216	-3.65778	2.70694
32432_f_at	L25899	6138	Hs.74
267	T	TS	リボソームタン
パク質 L15			
2377	0.00448428	-3.12324	2.43952
1497_at	L04270	4055	Hs.1116
T	TS		"リンホトキシン β
レセプター (TNFRスーパーファミリー, メンバー3)"			
2378	-0.211099	-2.6813	1.69984

	32225_at	X04297		
T	TS			
2379	0.0775381	-4.59332	3.69194	
	35835_at	AB019409	11324	Hs.306
180	T	TS		歯周靱帯線維芽
	細胞タンパク質			
2380	-0.0185343	-3.01302	2.29926	
	32809_at	AL118582		
T	TS			
2381	0.174745	-3.22826	2.79114	
	39711_at	J03075	5589	Hs.1432
	T	TS	T	プロテインキナーゼC
	基質 80K-H			
2382	0.149245	-3.43604	2.89148	
	32230_at	U39067	8668	Hs.192023
	T	TS	T	"真核生物翻訳開始
	因子3,サブユニット2 (β , 36kD)"			
2383	0.0452399	-2.44398	1.94733	
	33197_at	U39226	4647	Hs.95361
	T	TS		"ミオシンVIIA (Ush
	er症候群 1B (常染色体劣性,重篤))"			
2384	-0.099197	-3.25517	2.31836	
	40088_at	X84373	8204	Hs.155017
	T	TS	T	核レセプター相互
	作用タンパク質1			
2385	0.292815	-3.79918	3.4305	
	34695_at	AI816724	6603	Hs.250581
	T	TS		"SWI/SNF関連, マ
	トリックス関連, クロマチンのアクチン依存性調節因子, サブファミリーd, メンバー2"			
2386	-0.243216	-3.40163	2.17872	
	34326_at	X82103	1315	Hs.3059
	T	TS	T	"コートマータンパ
	ク質複合体,サブユニット β "			
2387	-0.0388363	-5.28422	3.95225	
	1740_g_at	M99487	2346	Hs.1915
	T	TS	T	葉酸ヒドロラーゼ
	(前立腺特異的 膜抗原)1			
2388	0.109509	-3.00166	2.48222	
	34646_at	Z25749	6201	Hs.301547
	T	TS		リボソームタンパク
	質 S7			
2389	0.160034	-6.95869	5.56103	
	40437_at	AL049944	25963	Hs.1649
2	T	TS	T	DKFZP564G2022タ
	ンパク質			
2390	0.269892	-3.30394	2.97294	
	41349_at	L43964	5664	Hs.25363
	T	TS		プレセニリン 2 (ア
	ルツハイマー病4)			
2391	-0.100579	-4.55945	3.42331	

35285_at	AF007216	8671	Hs.5462
T	TS	T	"溶質キャリアフ
ファミリー4, 炭酸水素ナトリウム共輸送体, メンバー4"			
2392	0.136561	-2.80949	2.4665
41310_f_at	X12794	2063	Hs.239752
T	TS		"核レセプターサブ
ファミリー2, 群F, メンバー6"			
2393	0.22791	-5.36427	4.63273
37485_at	D88308	8523	Hs.11729
T	TS		"脂肪酸-補酵素Aリガ
ーゼ, 超長鎖1"			
2394	0.0784154	-4.09938	3.37432
39729_at	L19185	7001	Hs.146354
T	TS		ペルオキシレドキ
シン 2			
2395	-0.00643109	-4.74181	3.70008
36090_at	AL080162	26608	Hs.5
2515	T	TS	T
ーシン(β)様 2			
2396	0.125669	-4.7961	3.99351
38729_at	M88279	2288	Hs.848
T	TS	T	FK506 結合タンパク質4
(59kD)			
2397	0.228977	-3.77756	3.37552
715_s_at	D87002	616	
T	TS		ブレークポイントクラスター領
域様 4			
2398	0.0583745	-2.45121	2.0294
41630_at	AI688740	51101	Hs.1188
21	T	TS	CGI-62タンパク
質			
2399	0.109394	-2.81587	2.47474
31993_f_at	U80764		
T	TS		
2400	-0.109293	-3.81112	2.87725
39798_at	R87876	6234	Hs.153177
T	TS		リボソームタンパ
ク質 S28			
2401	0.247464	-3.59642	3.34618
38594_i_at	AB006622	23018	Hs.18
2536	T	TS	KIAA0284タン
パク質			
2402	0.0476312	-5.142	4.17692
37035_at	AI557272	27230	Hs.76698
T	TS		ストレス関連 小胞
体タンパク質 1; リボソーム関連膜タンパク質 4			
2403	-0.0859982	-5.30078	4.06965
41454_at	W27949	23593	Hs.1110
29	T	TS	染色体 6 オープ
ンリーディングフレーム34			

2404	0.231709	-2.86696	2.69978
31608_g_at	AJ002428	10065	
T	TS		電位依存性アニオンチャ
ネル1 偽遺伝子			
2405	0.0370458	-2.4664	2.04537
32253_at	AB007927	473	Hs.194369
T	TS		アルギニン-グルタ
ミン酸 ジペプチド(RE)繰り返し			
2406	0.0423369	-5.38295	4.38266
39302_at	X56807	1824	Hs.239727
T	TS		デスモコリン 2
2407	0.0730309	-4.36298	3.6277
34835_at	D87442	23385	Hs.4788
T	TS	T	ニカストリン
2408	0.0465392	-4.23517	3.47479
33358_at	W29087	57460	Hs.21894
T	TS		KIAA1157タンパク
質			
2409	-0.0968928	-5.45313	4.35735
33317_at	L20320	1022	Hs.18429
T	TS		"サイクリン依存
8 性キナーゼ 7(MO15ホモログ, アフリカツメガエル, cdk-活性化キナーゼ)"			
2410	0.111227	-7.25292	6.24481
36495_at	U21931	2203	Hs.574
T	TS		"フルクトース-1,6-ビ
スホスファターゼ1"			
2411	-0.191422	-5.58099	4.29765
32543_at	M84739	811	Hs.16488
T	TS		カルレチキュリン
2412	-0.00790597	-6.50875	5.38879
35771_at	AF049460	10522	Hs.6
T	TS	T	変形表皮自己
574 調節因子因子1(Drosophila)			
2413	-0.170046	-5.06358	3.88569
32564_at	AA083129	10952	Hs.770
T	TS	T	タンパク質転座
28 複合体 β			
2414	-0.148056	-2.69995	1.96454
38242_at	AF068180	29760	Hs.167
T	TS		B細胞リンカー
746	-0.203732	-2.95236	2.05754
2415	37771_at	AB020688	9344
T	TS		Hs.1228
23 プロテインキナーゼ			無数のアミノ酸
2416	0.248981	-2.5655	2.55624
31379_at	AF072164	90477	Hs.13757
T	TS		HFSE-1タンパク質
0	-0.0902918	-3.4228	2.61506
2417	39732_at	X73882	9053
T	TS		Hs.146388
			微小管関連タンパ

ク質 7				
2418	-0.249611	-2.99051	1.97629	
40556_at	D42073	5954	Hs.167791	
T	TS		"レティキュロカル	
ピン 1, EF-ハンドカルシウム結合ドメイン"				
2419	-0.0248554	-6.26278	5.05756	
41163_at	AL109672	23423	Hs.17	
9516	T	TS	内在性I型タン	
パク質				
2420	0.0107957	-4.89481	4.0095	
471_f_at	U47634	10381	Hs.375216	
T	TS		"チューブリン, β	
, 4"				
2421	0.187579	-4.29851	3.85292	
34202_at	AL050071	25945	Hs.2120	
T	TS		ネクチン 3	
2422	0.160844	-4.28379	3.7879	
31816_at	X55079	2548	Hs.1437	
T	TS	T	"グルコシダーゼ, α ;	
酸 (Pompe病, 糖原病I型I)"				
2423	0.449325	-3.09938	3.34495	
33587_f_at	AI369146			
T	TS			
2424	0.256545	-2.5444	2.54189	
38940_at	N58115	57405	Hs.21137	
T	TS		AD024タンパク質	
2425	-0.297501	-3.72829	3.76801	
35091_at	AA706226	9542	Hs.1132	
64	T	TS	ニューレグリン	
2				
2426	-0.226352	-2.88599	2.89719	
34553_at	AF073482	9108	Hs.3438	
73	T	TS	myotubularin関	
連タンパク質 7				
2427	-0.42843	-3.44314	3.12077	
39818_at	W94101	10591	Hs.109752	
T	TS	T	推定c-Myc-応答性	
2428	-0.460342	-2.97489	2.50565	
33668_at	AF037643	6136	Hs.1829	
79	T	TS	リボソームタン	
パク質 L12				
2429	-0.232027	-2.79397	2.72026	
35765_at	X91504	10139	Hs.28736	
1	T	TS	ADPリボシル化因	
子関連タンパク質1				
2430	-0.221937	-3.66617	3.77717	
35564_at	U79300			
T	TS			
2431	-0.388426	-2.95859	2.59268	
33212_at	AF006751	6238	Hs.9861	

4	T	TS		リボソーム結合タ
ンパク質1ホモログ180kD (dog)				
2432	-0.91635	-5.67407	4.62324	
	37827_r_at	AJ237839	9980	Hs.129
781	T	TS		染色体 21 オー
ブンリーディングフレーム5				
2433	-0.484833	-3.72438	3.29271	
	34736_at	M25753	891	Hs.23960
	T	TS		サイクリン B1
2434	-0.595405	-3.25842	2.51474	
	40673_at	U12778	36	Hs.81934
	T	TS	T	"アシル-補酵素 Aデ
ヒドロゲナーゼ, 短/分枝鎖"				
2435	-0.303873	-2.62991	2.41078	
	40972_at	M77198	208	Hs.326445
	T	TS		v-aktマウス胸腺腫
ウィルスオンコジーンホモログ 2				
2436	-0.493601	-4.16727	3.90412	
	37963_at	X52151	410	Hs.88251
	T	TS		アリールスルファタ
ーゼ A				
2437	-0.376462	-2.44184	2.10277	
	38754_at	AI557295	26471	Hs.860
3	T	TS		p8タンパク質 (転
移の候補物 1)				
2438	-0.765925	-6.32768	5.94167	
	41696_at	AI620381	79017	Hs.288
649	T	TS		仮想タンパク質
MGC3077				
2439	-0.482466	-2.65295	2.13486	
	35125_at	X67309	6194	Hs.350166
	T	TS		リボソームタンパ
ク質 S6				
2440	-0.335103	-2.61938	2.43298	
	34750_r_at	AB023214	22890	Hs.2
4083	T	TS		KIAA0997タン
パク質				
2441	-0.812485	-6.06549	5.53618	
	41468_at	M30894	6965	Hs.112259
	T	TS	T	T cellレセプター
γ 遺伝子座				
2442	-0.432217	-3.12108	2.82004	
	37713_at	L07548	95	Hs.334707
	T	TS	T	アミノアシラーゼ 1
2443	-0.333094	-3.3933	3.39927	
	33982_f_at	X59244	7594	Hs.74107
	T	TS		ジンクフィンガー
タンパク質43(HTF6)				
2444	-0.910686	-6.33663	5.69809	
	1521_at	X17620	4830	Hs.118638

	T	TS	T	"非転移性細胞 1,
タンパク質(NM23A)発現"				
2445	-0.621602		-4.26188	3.80723
	36830_at	U80034	4285	Hs.68583
	T	TS		ミトコンドリア中間
体ペプチダーゼ				
2446	-0.103444		-2.94842	3.4069
	40674_s_at	S82986	3223	Hs.820
	T	TS		ホメオボックス C6
2447	-0.539329		-4.6573	4.52125
	41139_at	W26633	9500	Hs.177556
	T	TS		"黒色腫抗原, ファミ
リー D,1"				
2448	-0.533493		-3.53702	3.15093
	37316_r_at	AI057607	55837	Hs.7
731	T	TS		特徴付けされて
いない骨髄タンパク質BM036				
2449	-0.611293		-2.86875	2.28609
	40071_at	U03688	1545	Hs.154654
	T	TS	T	"シトクロムP450,
サブファミリーI(ジオキシン誘導性), ポリペプチド 1 (緑内障 3, 初感染)"				
2450	-0.522739		-3.44305	3.23524
	35147_at	AB002360	23263	Hs.255
15	T	TS		MCF.2細胞株由来
形質転換配列様				
2451	-0.793874		-4.53667	4.01439
	38986_at	Z49835	2923	Hs.289101
	T	TS	T	"グルコース調節
タンパク質,58kD"				
2452	-0.494613		-3.54303	3.42409
	41800_s_at	U46571	7266	Hs.5542
	T	TS		"DnaJ (Hsp40) ホモ
ログ, サブファミリーC, メンバー7"				
2453	-0.3642		-3.18496	3.26286
	33708_at	AF045584	8501	Hs.18910
	T	TS		前立腺癌過剰発現遺
伝子 1				
2454	-0.331068		-2.63368	2.62997
	41770_at	AA420624	4128	Hs.1831
09	T	TS	T	モノアミンオキ
シダーゼ A				
2455	-0.523588		-2.769	2.39811
	32315_at	M31520	6229	Hs.180450
	T	TS		リボソームタンパク
質 S24				
2456	-0.58413		-3.92896	3.7399
	1660_at	D83004	7334	Hs.75355
	T	TS	T	"ユビキチン結合酵素E
2N (UBC13ホモログ, 酵母)"				
2457	-0.498653		-2.80061	2.48149

1	39154_at	AI952982	10912	Hs.970
	T	TS		"成長停止およびD
	NA損傷誘導性, γ "			
2458		-0.552071	-2.47435	1.9387
6	35719_at	AB011178	23239	Hs.3817
	T	TS		SCN Circadian Os
	cillatoryタンパク質(SCOP)			
2459		-0.995473	-6.23667	5.62159
	35823_at	M63573	5479	Hs.699
	T	TS	T	ペプチジルプロリル
	イソメラーゼB(cyclophilin B)			
2460		-0.805452	-4.4649	3.82705
	37730_at	U22055	27044	Hs.79093
	T	TS	T	EBNA-2 共活性化因
	子 (100kD)			
2461		-0.435379	-2.40295	2.05392
323	34783_s_at	AF047473	9184	Hs.40
	T	TS		ベンズイミダ
	ゾール 3ホモログによって阻害されないBUB3発芽(酵母)			
2462		-0.67568	-3.64313	3.10994
714	41206_r_at	AI540925	1337	Hs.180
	T	TS	T	シトクロムc
	オキシダーゼサブユニット VIa ポリペプチド 1			
2463		-0.705116	-3.80808	3.24118
497	40851_r_at	X97065	10483	Hs.173
	T	TS		Sec23ホモログ
	B (S.cerevisiae)			
2464		-0.560924	-2.4688	1.86536
	33436_at	Z46629	6662	Hs.2316
	T	TS		"SRY (性決定領域Y)ポ
	ックス 9 (屈曲肢異形成,常染色体性逆転)"			
2465		-0.52397	-3.64263	3.43384
	41547_at	AF047472	9184	Hs.40323
	T	TS		ベンズイミダゾー
	ル 3ホモログによって阻害されないBUB3発芽(酵母)			
2466		-0.453419	-3.1126	2.92479
	1935_at	AF007111	4194	Hs.101874
	T	TS		"Mdm4, 形質転換 3
	T3 細胞二重微小 4,p53 結合タンパク質(マウス)"			
2467		-0.351705	-2.81548	2.70599
	40090_at	AI797997	54743	
	T	TS		推定メチルトランスフェ
	ラーゼ			
2468		-0.44386	-2.53167	2.15274
23	37453_at	AJ006267	10845	Hs.1138
	T	TS		ClpX カゼイン分
	解性プロテアーゼXホモログ (E. coli)			
2469		-0.55808	-4.97307	4.95349
	2011_s_at	U34584	638	Hs.155419
	T	TS		BCL2相互作用キラー

(アポトーシス誘導性)

2470	-0.390422	-2.63111	2.41414
40349_at	AL049442		
T	TS		
2471	-1.0233	-6.39733	5.72271
37722_s_at	U26266	1725	Hs.79064
T	TS		デオキシヒブシンシ
ンターゼ			
2472	-0.67631	-5.35974	5.20099
1251_g_at	M64788	5909	Hs.75151
T	TS		"RAP1, GTPase活性
化タンパク質1"			
2473	-0.167324	-2.44608	2.70214
32686_at	D86096		
T	TS		
2474	-0.247263	-2.35859	2.40853
36615_at	M83751	7873	Hs.75412
T	TS	T	"アルギニンリッチ
, 初期腫瘍で変異"			
2475	-0.285045	-2.4708	2.57715
33130_at	AW001001	3231	Hs.83465
T	TS		ホメオボックス D1
2476	-0.546525	-3.54553	3.39094
36992_at	AI653621	7295	Hs.7613
6 T	TS	T	チオレドキシン
2477	-0.553627	-2.69926	2.26584
39734_at	U10117	9255	Hs.333513
T	TS		"小型誘導性サイト
カイン サブファミリーE, メンバー1 (内皮 単球活性化)"			
2478	-0.618636	-3.38608	3.09544
31741_at	AF043978	5078	Hs.1297
06 T	TS		対ボックス遺伝
子 4			
2479	-0.626898	-3.19108	2.80571
39799_at	M94856	2171	Hs.153179
T	TS	T	脂肪酸結合タンパ
ク質5 (乾癬関連)			
2480	-0.0830462	-3.03986	3.86862
36232_at	U66198	2258	Hs.6540
T	TS		線維芽細胞成長因子
13			
2481	-0.429434	-2.50785	2.35056
1910_s_at	M14745	596	Hs.79241
T	TS	C	B細胞 CLL/リンパ
腫2			
2482	-0.0594567	-1.96228	2.45509
33630_s_at	AF026488	6712	Hs.2
6915 T	TS		"スペクトリン
, β, 非赤血球2"			
2483	-0.999441	-5.45488	4.92667

	38642_at	Y10183	214	Hs.10247
	T	TS	T	活性化白血球細胞接
着分子				
2484	-0.800818		-4.09338	3.56066
	40875_s_at	X06815	6625	Hs.1740
51	T	TS		小型核リボ核タ
ンパク質 70kDポリペプチド (RNP抗原)				
2485	-0.626391		-3.78875	3.56184
	32264_at	L23134	3004	Hs.268531
	T	TS		グランザイム M (
リンパ球met-ase1)				
2486	-0.63833		-2.79654	2.22867
	32394_s_at	X55954	9349	Hs.23451
8	T	TS		リボソームタンパ
ク質 L23				
2487	-0.932334		-5.20491	4.73624
	36624_at	L33842	3615	Hs.75432
	T	TS	T	IMP (イノシンー
リン酸)デヒドロゲナーゼ2				
2488	-0.751167		-4.41957	4.1179
	37703_at	Y08201	5876	Hs.78948
	T	TS		"Rabゲラニルゲラニ
ルトランスフェラーゼ, βサブユニット"				
2489	-0.85148		-3.90661	3.31424
	36972_at	X92098	10959	Hs.75914
	T	TS		被覆小胞膜タンパク
質				
2490	-0.513284		-2.42033	2.08491
	36938_at	U70063	427	Hs.75811
	T	TS		N-アシルスフィンゴ
シン アミドヒドロラーゼ (酸セラミダーゼ)				
2491	-0.517726		-3.39868	3.37227
	1354_at	U12140	4915	Hs.47860
	T	TS		"神経栄養性 チロシ
ンキナーゼ, レセプター, 型2"				
2492	-0.460018		-3.45756	3.60382
	36826_at	X64037	2962	Hs.68257
	T	TS		"ゲラニル転写因子I
IF, ポリペプチド 1(74kDサブユニット)"				
2493	-0.39753		-3.01181	3.14925
	35228_at	Y08682	1375	Hs.29331
	T	TS		"カルニチンパルミト
イルトランスフェラーゼ I, 筋肉"				
2494	-0.887703		-3.44678	2.70009
	40454_at	X87241	2195	Hs.166994
	T	TS		FAT腫瘍サプレッサ
ホモログ 1(Drosophila)				
2495	-0.662677		-3.88195	3.82438
	372_f_at	Z84718	2952	Hs.77490
	T	TS		グルタチオン S-ト

ランスフェラーゼ θ 1

2496	-0.611333		-3.39534	3.27381
	40139_at	U88966	2475	Hs.338207
	T	TS		FK506 結合タンパ
ク質12-ラパマイシン関連タンパク質1				
2497	-0.865276		-4.6042	4.26041
	1890_at	AB000584	9518	Hs.296638
	T	TS	T	前立腺分化因子
2498	-0.513579		-3.87275	4.10527
	39602_at	AL050090	25924	Hs.269
70	T	TS		DKFZP586F1018タ
ンパク質				
2499	-0.862577		-4.36724	3.99338
	39846_at	AF071748	8722	Hs.1159
0	T	TS		カテプシンF
2500	-0.798651		-5.15378	5.21656
	38827_at	AF038451	10551	Hs.910
11	T	TS		前勾配 2 (Xenep
us laevis)ホモログ				
2501	-0.520895		-2.49036	2.1974
	40150_at	AA205857	6634	Hs.1575
	T	TS		小型核リボ核タンパ
ク質 D3 ポリペプチド(18kD)				
2502	-0.230614		-2.75029	2.48943
	33840_at	U18914	7163	Hs.2384
	T	TS	T	腫瘍タンパク質 D52
2503	-0.262223		-3.59593	3.32412
	38482_at	AJ011497	1366	Hs.2785
62	T	TS		クラウドイン 7
2504	-0.176677		-3.06679	2.93286
	38496_at	M85164	2005	Hs.169241
	T	TS		"ELK4, ETS-ドメイ
ンタンパク質(SRF 副タンパク質 1)"				
2505	-0.284714		-3.32642	3.07311
	34888_at	M23294	3074	Hs.51043
	T	TS		ヘキソサミニダーゼ
B (βポリペプチド)				
2506	0.180032		-2.14565	2.7472
	34208_at	U79245	57468	Hs.21413
	T	TS		"溶質キャリアファミ
リー12, (カリウム/塩素イオントランスポーター) メンバー5"				
2507	-0.295586		-3.50913	3.24071
	40980_at	W26477	57680	Hs.17342
1	T	TS		KIAA1564タンパク
質				
2508	-0.456475		-4.50659	4.00296
	36519_at	M13194	2067	Hs.59544
	T	TS	T	"除去修復 相互補
完げっ歯類修復欠損,相補群 1 (重複アンチセンス配列を含む)"				
2509	-0.357145		-4.26048	3.94121

40616_at	U97670	8669	Hs.173987
T	TS		"真核生物翻訳開始
因子3,サブユニット1 (α, 35kD)"			
2510	-0.467495	-3.43476	2.74676
40312_at	AJ005670	1602	Hs.6393
1	TS		ダックスフントホ
モログ(Drosophila)			
2511	-0.65387	-6.2674	5.44556
39817_s_at	AF040105	10591	Hs.109
752	T	T	推定c-Myc応答
性			
2512	-0.37419	-3.54398	3.07245
34391_at	Y08915	3476	Hs.3631
T	TS		免疫グロブリン(CD79A
) 結合タンパク質1			
2513	-0.221163	-2.84679	2.63292
35978_at	AF009242	5638	Hs.4063
7	T	TS	プロリンリッチ G
la (G-カルボキシグルタミン酸)ポリペプチド 1			
2514	-0.432814	-4.64688	4.16033
32626_at	M90516	2673	Hs.1674
T	TS		グルタミン-フルクト
ース-6-ホスフェートトランスアミナーゼ1			
2515	-0.829248	-6.08951	4.91132
34800_at	AL039458	26018	Hs.419
3	T	TS	マウス内在性膜糖
タンパク質LIG-1のオルソログ			
2516	-0.382723	-4.18425	3.76494
39559_at	AF056032	8564	Hs.1073
18	T	TS	キヌレニン3-マ
ンノオキシゲナーゼ(キヌレニン3-ヒドロキシラーゼ)			
2517	-0.387749	-4.83533	4.48526
39761_at	D87682	23080	Hs.15027
5	T	TS	KIAA0241タンパク
質			
2518	-0.38237	-4.05329	3.63196
35199_at	AB023199	22884	Hs.2720
7	T	TS	KIAA0982タンパク
質			
2519	-0.343903	-2.45825	1.96979
41330_s_at	AB018349	9860	Hs.24
279	T	TS	KIAA0806遺伝子
産物			
2520	-0.28578	-3.77008	3.66728
32028_at	U85773	5373	Hs.154695
T	TS	T	ホスホマンノムタ
ーゼ 2			
2521	-0.288843	-2.59154	2.34013
32108_at	M76231	6697	Hs.301540
T	TS		"セピアブテリン

レダクターゼ(7,8-ジヒドロビオプテリン:NADP+ オキシドレダクターゼ)"

2522	-0.314721	-3.54541	3.31821
31806_at	M64082	2326	Hs.1424
T	TS		フラビン含有マンノ

オキシゲナーゼ 1

2523	-0.302486	-3.82581	3.63875
1166_at	D78151	5708	Hs.74619
T	TS		"プロテアソーム(プ

ロソーム, マクロペイン)26Sサブユニット, 非ATPase, 2"

2524	-0.290219	-3.02342	2.75675
37726_at	X06323	11222	Hs.79086
T	TS	T	ミトコンドリアリ

ボソームタンパク質L3

2525	-0.224037	-2.72375	2.56623
36194_at	M63959	4043	Hs.75140
T	TS		低密度リポタンパク

質関連タンパク質関連タンパク質 1 (α-2-マクログロブリンレセプター関連タンパク質 1)

2526	-0.252927	-3.92096	3.63903
40171_at	AF062739	23401	Hs.140
T	TS		進行性 T-細胞

リンパ腫2で頻繁に再構成される

2527	-0.237568	-3.01383	2.7027
39004_at	AI432190	64963	Hs.1112
T	TS		ミトコンドリア

リボソームタンパク質 S11

2528	-0.144554	-2.66824	2.54876
2066_at	L22474	581	Hs.159428
T	TS		BCL2関連 Xタンパク

質

2529	-0.159726	-3.35308	3.2425
39767_at	D13627	10694	Hs.15071
T	TS		"シャペロニン含有T

CP1, サブユニット 8 (θ)"

2530	-0.257717	-2.44655	2.07249
41278_at	AF041474	86	Hs.274350
T	TS		BAF53

2531	-0.0110575	-2.41647	2.50304

40460_s_at	X71440	51	Hs.10000
T	TS		"アシル-補酵素 A

オキシダーゼ 1, パルミトイル"

2532	-0.350951	-3.02613	2.46842
32089_at	AF079363	9576	Hs.1582
T	TS		精子関連抗原 6

2533	-0.134108	-2.56468	2.41641

31519_f_at	M90356	692	
T	TS		"塩基性転写因子3, 3様"

2534	-0.449329	-3.56132	2.82062
41855_at	AF030424	8520	Hs.1334
T	TS		ヒストン アセチル

0

トランスフェラーゼ1				
2535	-0.452087	-4.04647	3.32731	
	39394_at	AF007149		
T	TS			
2536	-0.221211	-3.83049	3.57256	
	37392_at	X84908	5257	Hs.78060
T	TS			"ホスホリラーゼキ
ナーゼ, β "				
2537	-0.348818	-5.88353	5.33081	
	38791_at	D29643	1650	Hs.34789
T	TS	T		ドリコール-ジホス
ホオリゴ糖-タンパク質グリコシルトランスフェラーゼ				
2538	-0.235861	-2.58557	2.17666	
	33710_at	U72515	10162	Hs.30042
3	T	TS	T	推定タンパク質
ネシーに類似(Drosophila)				
2539	-0.373839	-4.80512	4.16213	
	36483_at	X92689	2591	Hs.278611
T	TS			UDP-N-アセチル- α
-D-ガラクトサミン:ポリペプチドN-アセチルガラクトサミニルトランスフェラーゼ 3 (GalNAc-T3)				
2540	-0.395291	-3.37191	2.65445	
	39363_at	AF042384	27243	Hs.121
07	T	TS		推定胸部腺癌マ
ーカー(32kD)				
2541	-0.718234	-5.50206	4.2157	
	34213_at	AB020676	23286	Hs.2154
3	T	TS		KIAA0869タンパク
質				
2542	-0.0789641	-3.82598	3.7725	
	40414_at	X59303	7407	Hs.159637
T	TS	T		バリル-tRNAシン
テターゼ 2				
2543	-0.0269338	-2.90586	2.93272	
	35415_at	X12901	7429	Hs.16606
8	T	TS		ビリン 1
2544	-0.526564	-5.59345	4.69083	
	1585_at	M34309	2065	Hs.199067
T	TS	T		v-erb-b2 正赤芽球
性白血病viralオンコジーンホモログ 3 (トリ)				
2545	-0.125486	-2.73574	2.56078	
	40880_r_at	X78520	1182	Hs.1741
39	T	TS		クロライドチャ
ネル 3				
2546	-0.129241	-2.43439	2.25519	
	1014_at	U60325	5428	Hs.80961
T	TS			"ポリメラーゼ (DNA
指向性), γ "				
2547	-0.382202	-3.51679	2.86989	
	35622_at	AB001451	25759	Hs.309

65	T	TS		ニューロンShc
アダプターホモログ				
2548	-0.23094	-2.7217	2.35876	
40894_at	AI393342	80143	Hs.28810	
6	T	TS		仮想タンパク質FL
J21168				
2549	-0.364257	-3.61991	3.02397	
35945_at	U32376	1740	Hs.215839	
T	TS			"ディスクス, 大(D
rosophila)ホモログ2 (シャプシン-110)"				
2550	-0.151427	-2.40342	2.19368	
32829_at	X97544	10440	Hs.20716	
T	TS			ミトコンドリア内
膜 17ホモログAの転位酵素 (酵母)				
2551	-0.225986	-2.42133	1.99261	
38628_at	AF029777	2648	Hs.1010	
67	T	TS		アミノ酸合成 5
様 2のGCN5一般コントロール(酵母)				
2552	-0.449096	-5.42268	4.58221	
32435_at	X63527	6143	Hs.252723	
T	TS	T		リボソームタンパ
ク質 L19				
2553	-0.380736	-4.11757	3.40062	
1875_f_at	D38498	5387	Hs.30186	
2	T	TS		減数分裂後分離増
大 2様 9				
2554	-0.453131	-4.01041	3.15125	
32050_r_at	AF070554			
T	TS			
2555	-0.0802894	-3.40652	3.29489	
624_at	M28214	5865	Hs.123072	
T	TS			"RAB3B, メンバーRA
Sオンコジーンファミリー"				
2556	-0.180956	-2.79465	2.48489	
31661_at	AJ243936			
T	TS			
2557	-0.371362	-5.8317	5.18171	
40176_at	J03407	5987	Hs.142653	
T	TS	T		ret フィンガータ
ンパク質				
2558	-0.0507739	-2.86551	2.81316	
1011_s_at	U54778	7531	Hs.7947	
4	T	TS	T	"チロシン 3-マ
ンノオキシゲナーゼ/トリプトファン5-マンノオキシゲナーゼ活性化タンパク質, ε ポ				
リペプチド"				
2559	-0.410356	-4.97465	4.14855	
31331_at	L10123	9981	Hs.1071	
T	TS			界面活性タンパク質
A結合タンパク質				
2560	-0.15242	-4.16696	3.89062	

38474_at	L00972	875	Hs.84152
T	TS	T	シスタチオニン-β-
シンターゼ			
2561	-0.243743	-4.7069	4.24151
33308_at	M15182	2990	Hs.183868
T	TS	T	"グルクロニダーゼ
, β"			
2562	-0.335099	-4.65728	4.00115
1081_at	M33764	4953	Hs.75212
T	TS	T	オルニチン脱炭酸酵
素 1			
2563	-0.250328	-4.2893	3.8044
33863_at	U65785	10525	Hs.277704
T	TS	T	酸素調節タンパク
質 (150kD)			
2564	0.068661	-4.46204	3.90754
31504_at	M64098	3069	Hs.177516
T	TS	T	高密度リポタンパ
ク質 結合タンパク質(ビジリン)			
2565	-0.0836371	-4.02348	3.24583
36851_g_at	U42360	7991	Hs.711
19	TS		推定前立腺癌腫
瘍サプレッサ			
2566	-0.165768	-5.4411	4.34048
33689_s_at	AF012434	1652	Hs.180
015	TS	T	D-ドーパクロ
ムタウトメラゼ			
2567	0.0741694	-2.8772	2.59185
39401_at	W28264		
T	TS		
2568	0.0842172	-6.14856	5.39134
40093_at	X83425	4059	Hs.155048
T	TS	T	Lutheran血液型 (
Auberger b抗原誘導性)			
2569	0.253746	-3.64047	3.56454
38710_at	AL096714	55611	Hs.1085
04	TS		仮想タンパク質F
LJ20113			
2570	0.0236981	-2.82644	2.44605
1579_at	M27288	5008	Hs.248156
T	TS		オンコスタチンM
2571	-0.0355802	-3.91464	3.32851
31456_at	AL008627		
T	TS		
2572	-0.196653	-3.82159	2.9476
32178_r_at	AJ011915	8773	Hs.184
376	TS	T	"シナプトソー
ム関連タンパク質,23kD"			
2573	-0.01304	-4.51544	3.90045
37666_at	D29011	5693	Hs.78596

	T	TS	T	"プロテアソーム(プ
	ロソーム, マクロペイン)サブユニット, β 型, 5"			
2574	-0.043775		-3.7599	3.19026
	1300_at	Y08837	7516	Hs.129727
	T	TS		チャイニーズハムス
	ター細胞 2におけるX線修復修復補完欠損修復			
2575	0.118057		-5.5784	5.07328
	38328_at	H10201	10165	Hs.9599
	T	TS		"溶質キャリアファミ
	リー25, メンバー13(citrin)"			
2576	-0.241846		-3.25273	2.37719
	37336_at	D87684	23190	Hs.77495
	T	TS		UBXドメイン含有2
2577	0.0293925		-3.30192	2.91095
	37585_at	X13482	6627	Hs.80506
	T	TS	T	核内低分子リボタ
	ンパク質ポリペプチド A'			
2578	0.0722289		-3.24837	2.94032
	32282_at	U66047		
	T	TS		
2579	0.0116053		-6.49964	5.62237
	37044_at	D49490	10954	Hs.76901
	T	TS	T	タンパク質ジスル
	フィドイソメララーゼ関連			
2580	-0.0650297		-2.83744	2.32661
	36093_at	AB014514	23356	Hs.73
14	T	TS	T	KIAA0614タンパ
	ク質			
2581	0.28259		-2.5382	2.70656
	41261_at	N92920	26097	Hs.323817
	T	TS		DKFZP547E1010タンパ
	ク質			
2582	-0.1238		-3.03771	2.38406
	32547_at	X56253	4074	Hs.75709
	T	TS		マンノース-6-ホスフ
	ェートレセプター(カチオン依存性)			
2583	0.0647967		-2.5026	2.27355
	40361_at	D78333	10693	Hs.73072
	T	TS		"シャペロニン含有T
	CP1,サブユニット 6B (ζ 2)"			
2584	-0.286465		-5.9309	4.66651
	39396_at	AF081281	10434	Hs.1254
0	T	TS	T	リゾホスホリパ
	ーゼ I			
2585	-0.103992		-3.92126	3.247
	39844_at	AI806379		
	T	TS		
2586	0.299511		-2.18125	2.46719
	36874_at	M26004	1380	Hs.73792

	T	TS		補体成分(3d/エプス
2587	0.0568865	-4.03751	3.6395	
19	38640_at	AI582831	51042	Hs.1024
2588	T	TS	T	ジンクフィンガ
2588	-0.337276	-3.14797	2.12262	
	32444_at	X69392	6154	Hs.91379
	T	TS		リボソームタンパク
2589	-0.0072274	-2.53226	2.23431	
5	39357_at	U72514	10436	Hs.1204
2590	T	TS	T	C2fタンパク質
2590	-0.132139	-5.68998	4.81257	
60	40521_at	AL050259	5863	Hs.1701
2591	T	TS	T	"RAB2, メンバ
2591	-0.220525	-3.44786	2.64987	
	36686_at	U07919	220	Hs.75746
	T	TS		"アルデヒドデヒドロ
2592	-0.0576418	-2.61212	2.21356	
719	34767_at	AI670788	64112	Hs.24
2593	T	TS		アポトーシス 1
2593	-0.124852	-2.87901	2.32253	
	41128_at	AF070537		
2594	T	TS		
2594	0.06621	-2.78474	2.59975	
	34850_at	AB017644	10477	Hs.4890
	T	TS		"ユビキチン結合酵
2595	-0.198419	-3.62839	2.82662	
2	32644_at	D79991	23511	Hs.37438
2596	T	TS		KIAA0169タンパク
2596	-0.0144395	-2.58627	2.2568	
	38726_at	W80399	8818	Hs.108973
	T	TS		"ドリコール-ホス
2597	-0.290582	-4.28305	3.23857	
	37723_at	U47414	901	Hs.79069
2598	T	TS	T	サイクリン G2
2598	0.0300105	-3.82606	3.43835	
	33214_at	Y11681	6183	Hs.9964
	T	TS	T	ミトコンドリアリボ
2599	-0.157579	-3.34208	2.69521	
2	39077_at	U41843	10589	Hs.35674
	T	TS		DR1関連タンパク

質 1 (陰性補因子2α)

2600	-0.124816	-5.85744	5.02712
1513_at	M24543	354	Hs.171995
T	TS		"カリクレイン 3, (
前立腺 特異的抗原)"			
2601	-0.0997946	-4.28037	3.66644
193_at	U21858	6880	Hs.60679
T	TS		"TAF9 RNA ポリメラ
ーゼ II, TATAボックス 結合タンパク質(TBP)関連因子, 32 kD"			
2602	-0.121897	-2.65876	2.16476
34883_at	D87451	9921	Hs.5094
T	TS		リングフィンガータ
ンパク質 10			
2603	-0.0393942	-2.68895	2.39016
1811_at	D15049	5794	Hs.179770
T	TS		"タンパク質チロシ
ンホスファターゼ, レセプター型, H"			
2604	-0.0366439	-3.35833	2.97402
32787_at	M34309	2065	Hs.19906
T	TS	T	v-erb-b2 赤芽球
性白血病ウイルスオンコジーンホモログ 3 (トリ)			
2605	-0.0428593	-2.40212	2.09788
37806_at	AB028945	22941	Hs.12
T	TS		コータクチン S
H3ドメイン結合タンパク質			
2606	-0.174538	-2.4921	1.93393
41431_at	AB023153	22858	Hs.1088
T	TS		MAK関連キナーゼ
2607	-0.207995	-4.42067	3.62312
32245_at	AF014837	56339	Hs.268
T	TS		推定メチルトラ
ンスフェラーゼ			
2608	0.210144	-2.50453	2.67801
32278_at	X64728	1122	Hs.170129
T	TS		コロイデレミア様 (
Rab escortタンパク質2)			
2609	-0.0855058	-3.26167	2.812
36936_at	U58766	7264	Hs.264428
T	TS	T	組織特異的移植抗
原 P35B			
2610	-0.103587	-2.50005	2.0798
160027_s_at	Y00285	3482	Hs.7647
T	TS		インスリン様成長
因子2レセプター			
2611	-0.304707	-5.18666	4.2905
37443_at	AL031588	9620	Hs.25238
T	TS		"カドヘリン, EGF
LAG 7回貫通G型レセプター1(フラミンゴホモログ, Drosophila)"			
2612	-0.146665	-4.44132	3.90877
429_f_at	X00734	10382	Hs.11083

7	T	TS		"チューブリン,
β , 5"				
2613	-0.0984461	-2.9031	2.55425	
36046_at		AL050144	25898	Hs.482
97	T	TS		DKFZP586C1620タ
ンパク質				
2614	-0.0973159	-3.76109	3.29081	
40133_s_at		W28944	9380	Hs.155
742	T	TS		グリオキシル酸
レダクターゼ/ヒドロキシ推定レダクターゼ				
2615	-0.0103814	-3.10132	2.84546	
1750_at		AD000092	811	Hs.16488
T		TS		カルレチキュリン
2616	-0.17643	-2.89504	2.34523	
32878_f_at		AA524802		
T		TS		
2617	-0.349725	-6.61599	5.46955	
38435_at		U25182	10549	Hs.83383
T		TS	T	ペルオキシレドキ
シン 4				
2618	-0.0373325	-2.70082	2.43734	
41798_at		AJ222801	6610	Hs.552
35	T	TS		"スフィンゴミエ
リンホスホジエステラーゼ2, 中性膜 (中性スフィンゴミエリナーゼ,)"				
2619	-0.221204	-4.74357	3.98761	
33679_f_at		X02344	10383	Hs.251
653	T	TS	T	"チューブリン
, β , 2"				
2620	-0.292728	-2.99949	2.22981	
37423_at		U30246	6558	Hs.110736
T		TS		"溶質キャリアファ
ミリー12 (ナトリウム/カリウム/塩素トランスポーター),メンバー2"				
2621	-0.154196	-5.61305	5.25999	
34050_at		AC003034	116285	Hs.98
732	T	TS		中鎖アシル-CoA
シンテターゼ				
2622	-0.383842	-5.57574	4.70421	
38429_at		U29344	2194	Hs.83190
T		TS	T	脂肪酸シンターゼ
2623	-0.113513	-3.58943	3.29408	
40654_at		U88871	5191	Hs.79993
T		TS		ペルオキシソーム生
物発生因子 7				
2624	-0.270163	-2.92541	2.35423	
38054_at		AF029890	10542	Hs.804
64	T	TS		B型肝炎ウイルス
x相互作用タンパク質(9.6kD)				
2625	0.0471291	-2.91976	2.97125	
35739_at		AB002369	8897	Hs.6330
2	T	TS		筋小管関連タンパ

ク質 3					
2626	-0.0212799	-2.81286	2.73035		
	36930_at	L05425	29889	Hs.7552	
8	T	TS		核小体 GTPase	
2627	-0.234074	-2.98057	2.47125		
	34181_at	X55330	175	Hs.207776	
	T	TS		アスパルチルグルコ	
サミニダーゼ					
2628	-0.217749	-2.46469	1.99498		
	41180_i_at	U49785	1652	Hs.1800	
15	T	TS	T	D-ドーパクロム	
タウトメラゼ					
2629	-0.161197	-3.29234	2.88118		
	34039_at	AJ001383	9437	Hs.9708	
4	T	TS		"リンパ球抗原 94	
ホモログ, 活性化NK-レセプター; NK-p46, (マウス)"					
2630	0.174421	-4.00014	4.18642		
	35860_r_at	W28973			
	T	TS			
2631	-0.17499	-3.19595	2.72718		
	37281_at	D87071	9780	Hs.79077	
	T	TS		KIAA0233遺伝子産物	
2632	-0.263047	-3.87643	3.21407		
	31860_at	X51804	8834	Hs.15196	
	T	TS	T	推定レセプタータ	
ンパク質					
2633	-0.0928676	-2.50706	2.2327		
	461_at	U70063	427	Hs.75811	
	T	TS		N-アシルスフィンゴシ	
ン アミドヒドロラーゼ (酸セラミダーゼ)					
2634	-0.229432	-2.92346	2.3374		
	35671_at	U02619	2975	Hs.331	
	T	TS	T	"一般の転写因子IIIC,	
ポリペプチド 1(αサブユニット, 220kD)"					
2635	-0.138548	-4.02307	3.57927		
	34330_at	AB007618	9167	Hs.3088	
8	T	TS		シトクロムc オキ	
シダーゼサブユニット VIIa ポリペプチド 2 like					
2636	-0.268883	-4.90528	4.16422		
	38814_at	AF038954	9550	Hs.9033	
6	T	TS		"ATPase, H+ 輸送	
, リソソーム (空胞プロトンポンプ), メンバーJ"					
2637	-0.281542	-3.62327	2.9128		
	2075_s_at	L36719	5606	Hs.180533	
	T	TS	T	マイトジェン活性	
化プロテインキナーゼキナーゼ 3					
2638	1.69128	-3.77717	2.74777		
	41715_at	Y11312	5287	Hs.132463	
	T	TS		"ホスホイノシチド-3	
-キナーゼ, クラス2, βポリペプチド"					

2639	1.06626	-2.58906	1.77158
39103_s_at	H98552		
T	TS		
2640	1.61676	-3.77192	2.63622
36602_at	D21064	23203	Hs.75353
T	TS		KIAA0123タンパク質
2641	0.634395	-2.61859	1.25651
36129_at	AB007857	9905	Hs.7416
T	TS		KIAA0397遺伝子産物
2642	1.82671	-5.64362	3.25111
36945_at	X94910	10961	Hs.75841
T	TS		染色体12 オープン
リーディングフレーム8			
2643	1.05519	-2.83542	1.79619
38974_at	AF021819	11315	Hs.10958
T	TS		RNA-結合タンパク
質調節サブユニット			
2644	1.02196	-2.46205	1.64777
41627_at	D50645	6388	Hs.118684
T	TS		間質細胞由来因子2
2645	1.55589	-3.70103	2.50484
40866_at	AJ001258	8508	Hs.173878
T	TS		ニップスナップホ
モログ 1 (C.elegans)			
2646	1.52742	-4.17754	2.55862
41680_at	AF007170	22996	Hs.12578
3	T	TS	DEME-6タンパク質
2647	1.51186	-3.92924	2.4956
41866_s_at	AF022728	1838	Hs.13451
T	TS		"ジストロブレビン
, β "			
2648	1.77558	-4.6995	2.98955
983_at	X79483	6300	Hs.55039
T	TS		マイトジェン活性化プロ
テインキナーゼ12			
2649	1.60705	-4.42223	2.73233
36123_at	D87292	7263	Hs.351863
T	TS		チオ硫酸 硫黄トラン
スフェラーゼ (ロダネーゼ)			
2650	1.22048	-2.69843	1.93816
35781_g_at	AF035292	23363	Hs.665
4	T	TS	KIAA0657タンパク
質			
2651	1.38421	-3.93359	2.37011
1312_at	D38047	5714	Hs.78466
T	TS		"プロテアソーム (プロ
ソーム, マクロペイン)26Sサブユニット, 非ATPase, 8"			
2652	1.39494	-2.66949	2.14517
34175_r_at	AL049242		
T	TS		

2653	1.3305	-3.31516	2.07045
33744_at	AL080150	50628	Hs.302421
T	TS		gem (核小器官)関
連タンパク質 4			
2654	1.80645	-4.81549	2.89328
31773_at	U06715	1534	Hs.355264
T	TS		シトクロムb-561
2655	1.85113	-4.37074	2.87141
31992_f_at	AL021807	8294	Hs.2481
72 T	TS		"H4ヒストンファ
ミリー, メンバーM"			
2656	1.65816	-5.30408	2.88933
1798_at	U41060	25800	Hs.79136
T	TS	T	"LIV-1タンパク質,
エストロゲン調節性"			
2657	1.51956	-4.12852	2.50611
41862_at	D29954	23310	Hs.13421
T	TS		KIAA0056タンパク質
2658	1.238	-3.75016	2.1105
39023_at	AF020038	3417	Hs.11223
T	TS		"イソクエン酸デヒドロ
ゲナーゼ 1(NADP+), 可溶性"			
2659	1.24375	-3.0158	1.98895
1775_at	L24559	23649	Hs.81942
T	TS		"ポリメラーゼ (DNA指
向性), α (70kD)"			
2660	0.968822	-3.13623	1.67953
38485_at	AA760866	4717	Hs.84549
T	TS	T	"NADHデヒドロゲ
ナーゼ (ユビキノン)1, 小複合体 未知, 1 (6kD, KFYI)"			
2661	1.08182	-2.79145	1.75525
285_g_at	L19778	8969	Hs.51011
T	TS		"H2Aヒストンファミリ
ー, メンバーP"			
2662	1.37495	-3.56981	2.2098
39127_f_at	X73478	5524	Hs.236963
T	TS		"プロテインホスフ
ァターゼ2A, 調節サブユニットB'(PR 53)"			
2663	0.969592	-2.62853	1.58778
36786_at	AL022721	4736	Hs.33489
5 T	TS		リボソームタンパ
ク質 L10a			
2664	1.54101	-5.06259	3.0952
40252_g_at	U00943	11103	Hs.154762
T	TS	C	HIV-1 rev 結合タ
ンパク質2			
2665	1.67687	-5.22063	3.28765
37761_at	AB015020	10458	Hs.7936
T	TS		BAI1関連タンパク質

2666	1.29076	-4.10825	2.54006
40134_at	AF047436	9551	Hs.155751
T	TS		"ATPシンターゼ,H
+ 輸送, ミトコンドリアF0複合体, サブユニット f, アイソフォーム 2"			
2667	0.891663	-2.75313	1.73998
33279_s_at	X80062	6296	Hs.18134
5	T	TS	SA (ラット高血圧
関連) ホモログ			
2668	1.64522	-5.24696	3.24439
36132_at	S74728	501	Hs.74294
T	TS		"アルデヒドデヒドロゲ
ナーゼ7ファミリー, メンバーA1"			
2669	1.63697	-4.97015	3.17154
31528_f_at	Z83738	8342	Hs.182432
T	TS		"H2Bヒストンファ
ミリー, メンバーE"			
2670	0.745347	-2.84795	1.57978
31851_at	AJ224819	10206	Hs.1514
28	T	TS	C
ret フィンガー			
タンパク質 2			
2671	1.08888	-3.19195	2.06939
263_g_at	M21154	262	Hs.262476
T	TS		S-アデノシルメチオニ
ン脱炭酸酵素 1			
2672	0.536141	-2.47247	1.22869
33892_at	X97675	5318	Hs.25051
T	TS		プラコフィリン 2
2673	0.916875	-2.60391	1.71794
33936_at	D86181	2581	Hs.273
T	TS		ガラクトシルセラミダ
ーゼ(Krabbe病)			
2674	1.78708	-5.92724	3.54004
41640_at	AL031427	51668	Hs.46967
T	TS		HSPC034タンパク質
2675	1.46828	-4.35462	2.79144
40455_at	AB020637	23052	Hs.16711
5	T	TS	KIAA0830タンパク
質			
2676	1.49008	-3.8142	2.68605
41868_at	J04131	2678	Hs.284380
T	TS		γ グルタミルトランス
フェラーゼ 1			
2677	0.974528	-3.2602	1.93086
39091_at	AF070523	10550	Hs.92384
T	TS		ビタミンA応答性;
細胞骨格関連			
2678	1.63508	-5.4098	3.21491
1647_at	U51903	10788	Hs.78993
T	TS	T	IQモチーフ含有 GTPas
e活性化タンパク質2			

2679	0.85107	-2.83958	1.67493
1446_at	D00760	5683	Hs.181309
T	TS		"プロテアソーム(プロ
ソーム, マクロペイン)サブユニット, α 型, 2"			
2680	1.07682	-2.54073	1.88466
33063_at	J02940	2811	Hs.1472
T	TS		"糖タンパク質Ib (血小
板), α ポリペプチド"			
2681	1.39264	-4.3775	2.66524
38403_at	X77196	3920	Hs.8262
T	TS		リソソーム関連膜タンパ
ク質 2			
2682	0.75809	-2.5597	1.49341
36013_at	AF006621	10463	Hs.270956
T	TS	T	染色体 4 オープ
ンリーディングフレーム1			
2683	1.31804	-2.98472	2.16366
41368_at	AA922934	64849	Hs.10286
7	T	TS	"溶質キャリアフ
ァミリー13 (ナトリウム依存性ジカルボン酸トランスポーター), メンバー3"			
2684	1.628	-5.03938	2.95047
37276_at	U51903	10788	Hs.78993
T	TS	T	IQモチーフ含有 GTPas
e活性化タンパク質2			
2685	0.846561	-2.5565	1.52224
32756_at	AF030249	1891	Hs.196176
T	TS		"エノイル補酵素 A
ヒドラターゼ 1, ペルオキシソーム"			
2686	1.12758	-3.31063	2.02082
39383_at	AB007882	112	Hs.12373
T	TS		アデニル酸シクラー
ゼ6			
2687	1.74644	-5.29919	3.17844
38684_at	AJ010953	27032	Hs.10677
8	T	TS	T
輸送, 型 2C, メンバー1"			"ATPase, Ca++
2688	1.41085	-3.88466	2.49492
197_at	U29656	4832	Hs.81687
T	TS	T	"非転移性細胞 3, タン
パク質expressed in"			
2689	1.08176	-3.75089	2.12333
33446_at	W26407	57416	Hs.283675
T	TS		NPD009タンパク質
2690	1.29321	-3.06812	2.2415
36475_at	Z97630	3005	Hs.226117
T	TS		"H1ヒストンファミリ
ー, メンバー0"			
2691	1.28449	-3.5258	2.33379
41724_at	X81817	10134	Hs.291904
T	TS		副タンパク質 BAP31/

BAP29

2692	1.17902	-3.43556	2.18651
40605_at	AA524345	8723	Hs.267812
T	TS		選別ネキシ 4
2693	1.71098	-5.31158	3.18142
37616_at	X79888	549	Hs.81886
T	TS		AU RNA結合タンパク質/
エノイル-補酵素A ヒドラーゼ			
2694	1.58185	-4.38234	2.83035
36347_f_at	AA873858	8341	Hs.1545
76	T	TS	"H2Bヒストンフ
ァミリー, メンバーD"			
2695	1.2378	-3.46007	2.22013
34842_at	U41303	6638	Hs.48375
T	TS		核内低分子リボタンパ
ク質ポリペプチドN			
2696	1.39782	-3.31594	2.3838
36530_g_at	AI885381	79090	Hs.6127
3	T	TS	仮想タンパク質MG
C2650			
2697	1.16439	-3.19003	2.09138
36963_at	U30255	5226	Hs.75888
T	TS	T	ホスホグルコン酸デ
ヒドロゲナーゼ			
2698	1.127	-3.63366	2.14036
34699_at	AL050105	23607	Hs.343211
T	TS		CD2関連タンパク質
2699	0.817558	-2.4662	1.51647
38677_at	U04735	6782	Hs.352341
T	TS		"ストレス 70タンパ
ク質 シャペロン, ミクロソーム関連, 60kD"			
2700	1.8541	-4.78569	3.2623
38647_at	AJ131182	11316	Hs.10326
T	TS		"コートマータンパク
質複合体, サブユニット ε "			
2701	1.38291	-3.55933	2.42816
39867_at	S75463	7284	Hs.12084
T	TS	T	"Tu 翻訳伸長因子,
ミトコンドリア"			
2702	1.07078	-3.79327	2.54751
33579_i_at	Z97630	3005	Hs.226117
T	TS		"H1ヒストンファミ
リー, メンバー0"			
2703	1.46567	-5.86856	3.69658
684_at	K02215	183	Hs.3697
T	TS		"アンギオテンシノゲン (
セリン (またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター, クレド A (α-1 抗プロテ			
ナーゼ, 抗トリプシン), メンバー8)"			
2704	0.863517	-3.45776	2.17698
1348_s_at	S79219	5095	Hs.80741

	T	TS	T	"プロピオニル補酵
素 A カルボキシラーゼ, α ポリペプチド"				
2705	1.73482		-5.87439	4.0658
	39236_s_at	AL050372		
	T	TS		
2706	1.08182		-3.479	2.47775
	35339_at	AI743606	4218	Hs.5947
	T	TS		mel 形質転換オンコジ
ーン (細胞株NK14由来)- RAB8ホモログ				
2707	0.905643		-3.87503	2.36542
	38441_s_at	X59408	4179	Hs.83532
	T	TS		"膜補因子タンパク
質 (CD46, トロホブラストリンパ球交差反応性抗原)"				
2708	1.06562		-3.61604	2.49369
	32113_at	U83115	202	Hs.161002
	T	TS		黒色腫瘍 1で欠失
2709	0.630488		-2.59633	1.61492
	38688_at	AB007930	23126	Hs.1070
88 ク質	T	TS		KIAA0461タンパ
2710	0.739499		-3.55881	2.03576
	35646_at	Z35093	6834	Hs.3196
	T	TS		サーフェイト 1
2711	0.564243		-2.49983	1.4882
	33737_f_at	AI871359		
	T	TS		
2712	1.15486		-3.8051	2.64803
	31523_f_at	Z80780	8344	Hs.182138
	T	TS		"H2Bヒストンファミ
リー, メンバーH"				
2713	0.885013		-2.8038	1.99488
	36736_f_at	Y10275	5723	Hs.56407
	T	TS		ホスホセリン ホス
ファターゼ				
2714	1.33793		-4.24845	3.01409
	35576_f_at	AL009179	8329	Hs.1375
92	T	TS		"H2Aヒストンフ
ァミリー, メンバーC"				
2715	1.64261		-4.8316	3.58023
	1977_s_at	X14798	2113	Hs.18063
	T	TS		v-ets 赤芽球症ウイル
スE26オンコジーンホモログ1 (トリ)				
2716	1.54774		-4.34185	3.30872
	36955_at	U10362	10960	Hs.75864
	T	TS		染色体 5 オープンリ
ーディングフレーム8				
2717	0.522783		-3.06487	1.59551
	38683_s_at	AB029008	57450	Hs.35
1690	T	TS		KIAA1085タン
パク質				

2718	1.3629	-3.64392	2.83045
32962_at	S52028	1491	Hs.19904
T	TS		シスタチオナーゼ (シ
スタチオニン γ -リアーゼ)			
2719	1.22092	-3.59664	2.63705
34079_at	Y10696	8552	Hs.199245
T	TS		不活性化回避 1
2720	1.21947	-3.21031	2.52905
299_i_at	M90355	691	"塩基性転写因子3, 2様"
T	TS		
2721	1.43084	-4.53278	3.20535
33749_at	AB007455	11257	Hs.27432
9	T	TS	TP53 標的遺伝子
1			
2722	1.23879	-4.35559	2.89824
34400_at	AI540957	27089	Hs.3709
T	TS	T	低分子量 ユビキノ
ン-結合タンパク質 (9.5kD)			
2723	0.906159	-3.5011	2.3194
32752_at	W72440	4701	Hs.19561
T	TS		"NADHデヒドロゲナーゼ
(ユビキノ) 1 α 小複合体, 7 (14.5kD, B14.5a)"			
2724	1.10799	-2.61398	2.2995
1649_at	U61836	54498	Hs.92374
T	TS		仮想タンパク質
2725	1.52014	-5.31083	3.69733
33382_at	M92449	27163	Hs.264330
T	TS	T	N-アシルスフィン
ゴシン アミドヒドロラーゼ (酸セラミダーゼ) 様			
2726	0.753012	-2.86728	1.90903
36833_at	U78027	695	Hs.159494
T	TS		Bruton α γ グロブリ
ン血症 チロシンキナーゼ			
2727	1.04118	-3.51597	2.4696
37022_at	U41344	5549	Hs.76494
T	TS		プロリンアルギニンリ
ッチ エンドロイシンリッチ 繰り返しタンパク質			
2728	1.08914	-2.81811	2.32393
41149_at	AC004381	6296	Hs.181345
T	TS		SA (rat 高血圧関
連) ホモログ			
2729	1.57644	-6.66015	4.29452
34885_at	AJ002308	9144	Hs.5097
T	TS		シナプトグリン 2
2730	0.900443	-2.7861	2.11869
39445_at	AF038661	8703	Hs.321231
T	TS	T	"UDP-Gal: β GlcNA
c β 1,4- ガラクトシルトランスフェラーゼ, ポリペプチド 3"			
2731	0.783887	-3.69974	2.27424

55	41755_at	AB023194	22837	Hs.3008
	T	TS		KIAA0977タンパ
ク質				
2732	0.48345	-2.40513	1.44305	
	36961_at	AL050286	25875	Hs.75884
	T	TS		DKFZP586A011タン
パク質				
2733	1.16707	-4.38983	3.02135	
	820_at	U77604	4258	Hs.81874
	T	TS	T	ミクロソーム グルタチ
オン S-トランスフェラーゼ2				
2734	0.834642	-3.53636	2.295	
	1341_at	X52056	6688	Hs.157441
	T	TS		脾臓フォーカス形成ウ
イルス(SFFV) プロウイルス 組込みオンコジーン sp11				
2735	1.12726	-3.67874	2.69597	
	31474_r_at	AF082558	8658	Hs.1318
14	T	TS		"タンキラーゼ,
TRF1相互作用 アンキリン関連ADPリボースポリメラーゼ"				
2736	0.82706	-3.66751	2.29629	
	41579_s_at	AI952267	25899	
	T	TS		DKFZP586N0819タンパク質
2737	0.900211	-3.53118	2.34884	
	40105_at	M65131	4594	Hs.155212
	T	TS	T	メチルマロニル補
酵素 A ムターゼ				
2738	0.779987	-3.07901	2.03233	
	38604_at	AI198311	4852	Hs.1832
	T	TS		神経ペプチド Y
2739	1.21697	-3.562	2.7598	
	34006_s_at	L26318	5599	Hs.267445
	T	TS		マイトジェン活性化プ
ロテインキナーゼ8				
2740	0.665203	-2.43086	1.66579	
	39283_at	X83543	357	Hs.2391
	T	TS	T	先端タンパク質様 (ア
フリカツメガエル)				
2741	1.61468	-5.08548	3.22195	
	32684_at	AF038174		
	T	TS		
2742	1.39766	-3.3971	2.54913	
	37993_at	X63422	513	Hs.89761
	T	TS	T	"ATPシンターゼ, H+ 輸
送, ミトコンドリアF1複合体, δサブユニット"				
2743	1.03341	-3.292	2.08024	
	37992_s_at	AI436567	513	Hs.89761
	T	TS	T	"ATPシンターゼ, H+
輸送, ミトコンドリアF1複合体, δサブユニット"				
2744	1.45704	-2.79985	2.49128	
	38477_at	S81752	1801	Hs.84183

	T	TS		ジフタミド生合成に
必要なジフテリア毒素耐性タンパク質(Saccharomyces)様 1				
2745	1.5677	-3.82292		2.88078
	34769_at	U82535	2166	Hs.288828
	T	TS		脂肪酸アミドヒドロラ
ーゼ				
2746	1.03098	-3.79433		2.20622
	36131_at	AJ012008	23564	Hs.24736
2	T	TS		ジメチルアルギニ
ン ジメチルアミノヒドロラーゼ 2				
2747	1.27334	-3.96304		2.59939
	36529_at	AI885381	79090	Hs.61273
	T	TS		仮想タンパク質MGC
2650				
2748	1.37899	-3.74824		2.67713
	36126_at	U18919	80347	Hs.296422
	T	TS	T	ヌクレオチド結合
タンパク質				
2749	0.963467	-2.99126		1.97813
	41662_at	AL050272	25977	Hs.1230
5	T	TS		DKFZP566B183タン
パク質				
2750	1.41612	-4.38471		2.89819
	31522_f_at	Z80779	8343	Hs.182137
	T	TS		"H2Bヒストンファ
ミリー, メンバーG"				
2751	0.99816	-2.56235		1.904
	1515_at	X76771	2237	Hs.4756
	T	TS		フラップ構造特異的 エン
ドヌクレアーゼ 1				
2752	1.42947	-4.85306		3.03049
	36167_at	D89052	533	Hs.7476
	T	TS	T	"ATPase, H+ 輸送, リ
ソソーム (空胞プロトンポンプ)21kD"				
2753	1.14535	-2.54974		2.08625
	269_at	L40387	8638	Hs.118633
	T	TS		2'-5'-オリゴアデニル
酸シンテターゼ様				
2754	1.06923	-3.44205		2.1867
	41498_at	AB020718	22883	Hs.29665
	T	TS		KIAA0911タンパク質
2755	1.79425	-4.09115		3.2688
	39609_at	U80457	6493	Hs.27311
	T	TS		一意性ホモログ 2 (Dro
sophila)				
2756	1.27755	-3.60416		2.50263
	36531_r_at	AC005757	56148	
	T	TS		仮想タンパク質
2757	1.63304	-5.3296		3.50493
	34045_at	AL080151		

T	TS			
2758	1.37433	-4.64712	2.97701	
33881_at	AA977580	2181	Hs.268012	
T	TS		"脂肪酸-補酵素Aリ	
ガーゼ, 長鎖3"				
2759	1.39304	-3.57712	2.72046	
33709_at	AF067224	5152	Hs.18953	
T	TS		ホスホジエステラー	
ゼ9A				
2760	1.36932	-5.34255	3.16369	
37298_at	AF044671	11337	Hs.7719	
T	TS		GABA(A)レセプター	
関連タンパク質				
2761	1.45368	-4.23058	2.97462	
41551_at	AW044624	11079	Hs.40500	
T	TS	T	S. cerevisiae RE	
R1と類似				
2762	1.32778	-5.0492	3.00443	
34893_at	AI557064	4729	Hs.51299	
T	TS	T	NADHデヒドロゲナー	
ゼ (ユビキノン)フラボタンパク質 2 (24kD)				
2763	1.80842	-5.61709	3.75987	
34157_f_at	AI200373	8332	Hs.2335	
68	T	TS	"H2Aヒストンフ	
ァミリー, メンバーI"				
2764	1.44566	-4.96703	3.13108	
40068_at	U26648	6811	Hs.302300	
T	TS		シンタキシン5A	
2765	1.06107	-3.43164	2.22245	
198_g_at	U29656	4832	Hs.81687	
T	TS	T	"非転移性細胞 3,タ	
ンパク質発現"				
2766	0.660937	-2.64945	1.51882	
34841_at	AC002544	1201	Hs.19466	
0	T	TS	T	"セロイド脂褐素
症, ニューロン3, 若年性 (Batten, Spielmeyer-Vogt病)"				
2767	0.974479	-3.53152	2.25873	
38325_at	AL050356	9562	Hs.95907	
T	TS		"マルチイノシトー	
ル ポリホスフェートヒスチジンホスファターゼ, 1"				
2768	1.08156	-3.31429	2.33705	
40765_at	D87438	23042	Hs.343566	
T	TS		KIAA0251タンパク質	
2769	1.18726	-4.51121	2.8021	
36658_at	D13643	1718	Hs.75616	
T	TS	T	24-デヒドロコレステ	
ロール レダクターゼ				
2770	1.09071	-4.23154	2.60315	
32112_s_at	AI800499	202	Hs.16100	
2	T	TS	黒色腫1で欠失	

2771	1.18316	-3.83815	2.61099
33556_at	AF049611	11153	Hs.23496
1 T	TS		ハンチンチン相互
作用タンパク質E			
2772	0.548334	-2.81261	1.52403
40425_at	M57730	1942	Hs.1624
T	TS	T	エフリン-A1
2773	1.37805	-3.19554	2.69107
562_g_at	M65085	2492	Hs.1428
T	TS		小胞刺激ホルモンレセ
プター			
2774	1.21811	-3.71512	2.64284
34668_at	D88152	9197	Hs.285176
T	TS		アセチル-補酵素 A
トランスポーター			
2775	0.967392	-2.84071	2.0643
32396_f_at	AA079018	2068	Hs.9998
7 T	TS		"除去修復 交差補
完げっ歯類修復欠損,相補群 2 (色素性乾皮症 D)"			
2776	1.15935	-3.11942	2.36139
33307_at	AL022316	27341	Hs.23993
4 T	TS		CGI-96タンパク質
2777	0.700932	-2.77139	1.6708
39847_at	AF040965	8602	Hs.117487
T	TS		仮想 S. pombe遺伝
子とホモロジーを有する4p16.3上のHD付近の遺伝子			
2778	1.41826	-4.8076	3.1503
356_at	AB017430	3835	Hs.119324
T	TS		キネシン様 4
2779	1.04111	-3.84069	2.39919
31546_at	L11566	6141	Hs.343354
T	TS		リボソームタンパク
質 L18			
2780	1.67481	-6.42971	3.90741
40297_at	AC005053	26872	Hs.61635
T	TS	T	前立腺の6回膜
貫通上皮抗原			
2781	0.764072	-2.551	1.67633
41448_at	AC004080	2128	Hs.336963
T	TS		"eve, 一様にスキッ
プしたホメオボックスホモログ 1 (Drosophila)"			
2782	1.22435	-3.80733	2.60547
38675_at	AI087268	6631	Hs.1063
T	TS	C	核内低分子リボタン
パク質ポリペプチドC			
2783	1.19997	-3.4287	2.46744
32559_s_at	AJ238096	25804	Hs.7671
9 T	TS		U6 snRNA関連 Sm
様タンパク質			
2784	1.82209	-5.14868	3.71012

	33670_at	X74439		
T	TS			
2785	1.62312	-4.95991	3.41797	
	41804_at	W80358	79703	Hs.55613
	T	TS		仮想タンパク質FLJ22
531				
2786	0.77882	-4.4738	2.9556	
	33386_at	Z97630	3005	Hs.226117
	T	TS		"H1ヒストンファミリー
	,メンバー0"			
2787	0.767886	-2.60151	2.15796	
	122_at	X74331	5558	Hs.74519
	T	TS		"プライマーゼ,ポリペ
	プチド 2A(58kD)"			
2788	1.00953	-3.3572	2.84016	
	31871_r_at	L07077	1962	Hs.1531
	T	TS		"エノイル-補酵素 A,
	ヒドラターゼ/3-ヒドロキシアシル補酵素 Aデヒドロゲナーゼ"			
2789	0.866056	-4.84801	3.27024	
	37812_at	AB006631	23316	Hs.1278
4	T	TS		KIAA0293タンパク
質				
2790	1.04992	-3.99944	3.17911	
	39155_at	D67025	5709	Hs.9736
	T	TS	T	"プロテアソーム(プロ
	ソーム,マクロペイン)26Sサブユニット,非ATPase,3"			
2791	0.773274	-3.18021	2.44083	
	256_s_at	M14199	3921	Hs.181357
	T	TS		"ラミニンレセプタ
	ー1 (67kD,リボソームタンパク質 SA)"			
2792	0.883632	-4.4967	3.16976	
	35764_at	Y15164	8481	Hs.6483
	T	TS		口・顔・指症候群 1
2793	0.81783	-4.61308	3.14005	
	32819_at	AJ223352	8339	Hs.352109
	T	TS		"H2Bヒストンファ
	ミリー,メンバーA"			
2794	0.442024	-2.77396	1.81826	
	41436_at	AJ224901	7750	Hs.10952
6	T	TS	T	ジンクフィンガ
	ータンパク質198			
2795	0.460493	-3.31651	2.17195	
	40501_s_at	X73114	4604	Hs.16984
9	T	TS		"ミオシン結合タ
	ンパク質C,slow型"			
2796	0.403736	-3.34428	2.09309	
	41253_s_at	AI983043		
	T	TS		
2797	0.779737	-4.58069	3.19896	
	32203_at	AA160708	10616	Hs.2472

80	T	TS		HBV関連因子
2798	0.580132	-2.82412		2.11707
	33989_f_at	W28869	7009	Hs.74637
	T	TS	T	精巢増強遺伝子
転写物 (BAXインヒビター1)				
2799	1.16059	-5.60531		4.19421
	34543_at	L06895	4084	Hs.109012
	T	TS		MAX 二量体化タンパ
ク質				
2800	0.627968	-3.74068		2.57348
	32971_at	L27479	9413	Hs.77889
	T	TS	T	Friedreich 運動失
調 領域遺伝子X123				
2801	0.760812	-2.71798		2.30971
	31505_at	Z28407	6132	Hs.178551
	T	TS		リボソームタンパク
質 L8				
2802	0.686254	-4.09447		2.81999
	36147_at	X74104	6746	Hs.74564
	T	TS	T	"シグナル配列レセ
プター, β (トランスロコン関連タンパク質 β)"				
2803	0.718028	-4.05343		2.84543
	38432_at	AA203213	9636	Hs.833
	T	TS		"インターフェロン刺
激性タンパク質, 15 kDa"				
2804	0.622784	-2.93588		2.15955
	38226_at	W27152	55174	Hs.5105
	T	TS		仮想タンパク質FLJ10
569				
2805	0.882937	-5.22031		3.53093
	31538_at	M17885	6175	Hs.350108
	T	TS		"リボソームタンパ
ク質, 大, P0"				
2806	0.843784	-4.12811		3.00722
	33264_at	X89602	55556	Hs.180433
	T	TS		rTS β タンパク質
2807	0.955324	-3.21173		2.77571
	33944_at	S60099	334	Hs.279518
	T	TS	T	アミロイド β (A4)
前駆体様タンパク質2				
2808	0.801183	-4.25259		3.01354
	40966_at	AF099989	27347	Hs.1992
63	T	TS		Ste-20関連キナ
ーゼ				
2809	0.463817	-2.69312		1.84608
	38575_at	AF070528	10892	Hs.1805
66	T	TS		粘膜関連リンパ
組織リンパ腫転座遺伝子 1				
2810	0.838409	-3.53013		2.76565
	35101_at	X52997	2815	Hs.1144

	T	TS		糖タンパク質IX (血小
板)				
2811	0.478597	-2.96538	1.99915	
	39752_at	AF040704	11068	Hs.1494
43	T	TS		推定腫瘍抑制因
子				
2812	0.430559	-2.65139	1.78809	
	38605_at	AI345944	4707	Hs.18343
5	T	TS		"NADHデヒドロゲ
ナーゼ (ユビキノン)1 β 小複合体, 1 (7kD, MNLL)"				
2813	0.963942	-5.57235	3.83954	
	36950_at	X90872	54732	Hs.279929
	T	TS	T	gp25L2タンパク質
2814	1.05712	-5.57106	3.97135	
	38459_g_at	L39945	1528	Hs.83834
	T	TS		シトクロムb-5
2815	1.17597	-3.25267	2.9497	
	34662_at	W27666	84864	Hs.23294
	T	TS		仮想タンパク質FLJ143
93				
2816	0.847725	-3.52168	2.60344	
	41552_g_at	AW044624	11079	Hs.40
500	T	TS	T	S. cerevisiae
RER1に類似				
2817	0.575247	-2.51199	1.817	
	39029_at	U11861	8896	Hs.330310
	T	TS		母性G10 転写物
2818	0.725091	-2.92179	2.19946	
	32799_at	AF023268	1196	Hs.73986
	T	TS	T	CDC様キナーゼ 2
2819	0.828178	-2.61882	2.2217	
	37982_at	Z25821	1632	Hs.89466
	T	TS		"ドデセノイル-補酵素
A δ イソメラーゼ(3,2 トランスエノイル-補酵素 A イソメラーゼ)"				
2820	1.1586	-4.16796	3.32888	
	251_at	L41816	8536	Hs.184402
	T	TS		カルシウム/カルモジュ
リン依存性 プロテインキナーゼI				
2821	0.601944	-3.57394	2.29955	
	39080_at	M88458	11014	Hs.372755
	T	TS		KDEL (Lys-Asp-Glu
-Leu) 小胞体タンパク質 保持レセプター2				
2822	0.603426	-2.49434	1.80516	
	38498_at	Z99916	1417	Hs.198968
	T	TS		"クリスタリン, β
B3"				
2823	0.710958	-3.44676	2.31647	
	39347_at	X97074	1175	Hs.119591
	T	TS	T	"アダプター関連タ
ンパク質複合体2, σ 1サブユニット"				

2824	0.708575	-2.59463	1.98436
39992_at	AF030302	5002	Hs.50868
T	TS		"溶質キャリアファ
ミリー22 (有機カチオントランスポーター), メンバー1様"			
2825	0.789366	-4.7534	2.91885
39814_s_at	AI052724	51635	Hs.109
201	T	TS	CGI-86タンパク
質			
2826	0.683821	-2.85322	2.04112
37209_g_at	AJ001612	8781	Hs.768
45	T	TS	ホスホセリン ホ
スファターゼ様			
2827	0.870416	-3.60091	2.57643
38458_at	L39945	1528	Hs.83834
T	TS		シトクロムb-5
2828	1.35591	-5.29385	3.89762
1340_s_at	X16323	3082	Hs.809
T	TS		肝細胞 成長因子 (ヘパ
ポエチン A; 散乱因子)			
2829	1.05337	-4.27715	3.08956
1637_at	U09578	7867	Hs.227789
T	TS		マイトジェン活性化プ
ロテインキナーゼ活性化 プロテインキナーゼ3			
2830	1.19802	-4.2024	3.30304
40718_at	AF013611	1521	Hs.87450
T	TS		カテプシンW (リンパ
痛)			
2831	0.83473	-4.38443	2.87836
34347_at	AL049955	25915	Hs.31387
T	TS		DKFZP564J0123タン
パク質			
2832	0.704396	-3.68471	2.42186
36688_at	U11313	6342	Hs.75760
T	TS		ステロールキャリア
タンパク質 2			
2833	1.20029	-5.99959	4.01671
33824_at	X74929	3856	Hs.242463
T	TS	T	ケラチン 8
2834	1.12492	-5.27698	3.62853
38635_at	Z69043	6748	Hs.102135
T	TS	T	"シグナル配列レセ
プター, δ (トランスロコン関連タンパク質 δ)"			
2835	0.980688	-4.85509	3.30233
36528_at	M14218	435	Hs.61258
T	TS		アンギニノコハク酸リ
アーゼ			
2836	1.07881	-4.85298	3.43566
35778_at	AB011103	3800	Hs.6641
T	TS		キネシンファミリー
メンバー5C			

2837	1.01829	-3.14946	2.6677
38839_at	AL096719	5217	Hs.91747
T	TS		プロフィリン 2
2838	1.0431	-3.31856	2.76468
867_s_at	U12471		T
TS			
2839	0.630203	-2.76118	1.96579
35345_at	X83618	3158	Hs.59889
T	TS		3-ヒドロキシ-3-メチ
ルグルタリル-補酵素Aシンターゼ 2 (ミトコンドリア)			
2840	1.11082	-4.79904	3.12645
34987_s_at	X79536	3178	Hs.249495
T	TS	C	異種核リボ核タン
バク質 A1			
2841	1.04642	-4.55971	2.98413
37311_at	AF010400	6888	Hs.77290
T	TS		トランスアルドラー
ゼ 1			
2842	0.887996	-2.47544	2.05091
39494_at	U21915		
T	TS		
2843	0.846022	-3.15324	2.21978
1641_s_at	U32986	1642	Hs.108327
T	TS		損傷特異的 DNA結
合タンパク質1 (127kD)			
2844	0.487212	-2.67134	1.57293
40082_at	D10040	2180	Hs.154890
T	TS		"脂肪酸-補酵素Aリ
ガーゼ, 長鎖2"			
2845	1.32054	-4.20193	3.28077
34260_at	AB014583	9894	Hs.226275
T	TS		KIAA0683遺伝子産
物			
2846	1.30053	-4.40975	3.32447
33644_at	L34035	4199	Hs.14732
T	TS	C	"リンゴ酸酵素 1, NA
DP(+)依存性, サイトゾル"			
2847	0.64497	-2.52392	1.7689
1398_g_at	L32976	4296	Hs.89449
T	TS		マイトジェン活性化プ
ロテインキナーゼキナーゼキナーゼ11			
2848	0.704482	-4.09787	2.41572
36133_at	AL031058		
T	TS		
2849	0.517057	-2.46343	1.5768
41256_at	Z21507	1936	Hs.223241
T	TS		真核生物翻訳伸長因
子1 δ (グアニンヌクレオチド交換タンパク質)			
2850	0.797237	-3.36947	2.26489
41365_at	Y09788	4587	Hs.102482

	T	TS		"ムチン 5, サブタ
イプ B, 気管気管支"				
2851	1.16439	-4.7517	3.23023	
	32221_at	AL050361	28973	Hs.274417
	T	TS		ミトコンドリアリ
ボソームタンパク質S18B				
2852	1.17467	-4.26055	3.07871	
	38005_at	AJ005866	11046	Hs.90078
	T	TS		ヌクレオチドー糖
トランスポーターC. elegans sqv-7に類似				
2853	0.874932	-3.79142	2.50713	
	896_at	L21998	4583	Hs.315
	T	TS		"ムチン 2, 腸/気管"
2854	1.34734	-5.04826	3.69035	
	32573_at	AL021546	1337	Hs.180714
	T	TS	T	シトクロムc オキ
シダーゼサブユニット VIa ポリペプチド 1				
2855	0.797599	-2.53705	2.0238	
	1645_at	U43527	3814	Hs.95008
	T	TS		KiSS-1 転移抑制因子
2856	1.12164	-5.37629	3.48793	
	38969_at	AI828168	56005	Hs.10927
	T	TS		仮想タンパク質R33
729_1				
2857	1.17478	-4.91237	3.37337	
	34348_at	U78095	10653	Hs.31439
	T	TS	T	"セリンプロテアー
ゼインヒビター, Kunitz型, 2"				
2858	0.753597	-4.54522	2.67491	
	36677_at	X70476	9276	Hs.75724
	T	TS	T	"コートマータンパ
ク質複合体, サブユニット β 2 (β プライム)"				
2859	0.853512	-4.23843	2.74743	
	956_at	X02344	10383	Hs.251653
	T	TS	T	"チューブリン, β ,
2"				
2860	1.04976	-4.65475	3.1677	
	41437_at	AL080118	26175	Hs.275352
	T	TS		DKFZP564F1123タン
パク質				
2861	0.622796	-3.02604	1.97437	
	38139_at	AF017445	8790	Hs.15092
6	T	TS		フコース-1-ホス
フェート グアニリルトランスフェラーゼ				
2862	1.21553	-4.98963	3.51556	
	35195_at	Y11651	8634	Hs.27076
	T	TS	T	RNA 3'-末端 ホスフ
ェート シクラーゼ				
2863	0.921823	-2.53479	2.20382	
	271_s_at	J05036	1510	Hs.1355

	T	TS		カテプシンE
2864	1.01988	-3.94609		2.90053
	36604_at	D83004	7334	Hs.75355
	T	TS	T	"ユビキチン結合酵素
E2N (UBC13ホモログ, 酵母)"				
2865	1.25156	-3.89471		3.17937
	36124_at	X59434	4357	Hs.248267
	T	TS	T	メルカプトピルビン
酸硫黄トランスフェラーゼ				
2866	1.34339	-5.90011		4.06342
	40327_at	U57052	10481	Hs.66731
	T	TS		ホメオボックス B13
2867	0.814195	-2.81299		2.17447
	41713_at	U09848	7586	Hs.356344
	T	TS		ジンクフィンガー タ
ンパク質36(KOX 18)				
2868	0.615815	-2.67887		1.85205
	1228_s_at	U73682	4253	Hs.117242
	T	TS	T	髄膜腫発現抗原 6
(コイルドコイル プロリンリッチ)				
2869	0.347877	-3.39695		2.58896
	39342_at	X94754	4141	Hs.279946
	T	TS		メチオニン-tRNAシ
ンテターゼ				
2870	0.233727	-3.08854		2.22518
	31843_at	AB020639	2104	Hs.15101
7	T	TS		エストロゲン関連
レセプター γ				
2871	0.385534	-4.22772		3.16484
	41223_at	M22760	9377	Hs.323834
	T	TS		シトクロムc オキシ
ダーゼサブユニットVa				
2872	0.632815	-5.88076		4.56536
	35770_at	D16469	537	Hs.6551
	T	TS	T	"ATPase, H+ 輸送, リ
ソソーム (空胞プロトンポンプ), サブユニット1"				
2873	0.40225	-3.51671		2.76915
	37364_at	U72511	11331	Hs.7771
	T	TS		B細胞関連タンパク質
2874	0.358625	-2.50709		2.11471
	34609_g_at	M24194	10399	Hs.5662
	T	TS	T	"グアニンヌクレ
オチド結合タンパク質(Gタンパク質), βポリペプチド 2様 1"				
2875	0.227011	-2.46674		1.87811
	39009_at	N98670		
	T	TS		
2876	0.479414	-3.57129		2.97094
	41728_at	D63486	9761	Hs.181418
	T	TS	T	KIAA0152遺伝子産
物				

2877	0.552542	-3.30587	2.92211
31805_at	M64347	2261	Hs.1420
T	TS		"線維芽細胞成長因子
レセプター3 (. 軟骨無形成症, 小肢症)"			
2878	0.641592	-5.03021	4.0981
1969_s_at	X77743	1022	Hs.184298
T	TS		"サイクリン依存性
キナーゼ 7(M015ホモログ, アフリカツメガエル, cdk活性化キナーゼ)"			
2879	0.357418	-4.99274	3.61643
31385_at	U14969	6158	Hs.4437
T	TS		リボソームタンパク質
L28			
2880	0.268182	-4.70997	3.28665
40881_at	X64330	47	Hs.174140
T	TS	T	ATP クエン酸リアー
ゼ			
2881	0.2712	-3.11277	2.32404
31906_at	AF068754	3281	Hs.250899
T	TS		ヒートショック因子
結合タンパク質1			
2882	0.604049	-7.05936	5.42002
34775_at	AF065388	10103	Hs.3897
T	TS		tetraspan 1
2883	0.361164	-4.32558	3.30101
35351_at	U89505	5936	Hs.42826
T	TS		RNA 結合モチーフタ
ンパク質 4			
2884	0.272215	-3.63276	2.71778
35697_at	L76259	5805	Hs.366
T	TS		6-ピルボイルデトラヒ
ドロプテリンシンターゼ			
2885	0.332602	-2.94626	2.36239
33175_at	AA156237	585	Hs.26471
T	TS		Bardet-Biedl症候群
4			
2886	0.35546	-4.53197	3.37838
39353_at	AI912041	3336	Hs.1197
T	TS	T	ヒートショック 10k
Dタンパク質 1 (シャペロニン10)			
2887	0.572682	-3.17978	2.89421
40397_at	X82629	4223	Hs.77858
T	TS		間葉 ホメオボックス
2 (成長停止特異的ホメオボックス)			
2888	0.464797	-3.33659	2.83104
33667_at	X52851	5478	Hs.342389
T	TS		ペプチジルプロリル
イソメラーゼA(cyclophilin A)			
2889	0.454102	-3.92081	3.16819
40427_at	AA149486	10063	Hs.1629
T	TS		"COX17ホモログ,
7			

シトクロムc オキシダーゼ組立タンパク質 (酵母)"

2890	0.540563	-4.95959	3.95631
1212_at	U86529	2954	Hs.26403
T	TS	T	グルタチオン トラン
スフェラーゼ 1 (マレイルアセト酢酸 イソメラーゼ)			
2891	0.403513	-2.88677	2.44714
35019_at	AF054180	9534	Hs.86371
T	TS		ジンクフィンガー
タンパク質254			
2892	0.190042	-2.94738	2.21183
38413_at	D15057	1603	Hs.82890
T	TS		細胞死に対するディ
フェンダー 1			
2893	0.394137	-3.35443	2.80198
35758_at	AB024301	10856	Hs.6455
T	TS		RuvB様 2 (E. coli
)			
2894	0.179989	-2.55767	1.94039
37273_at	AF007153		
T	TS		
2895	0.167101	-3.0543	2.22066
1131_at	L11285	5605	Hs.72241
T	TS	T	マイトジェン活性化プ
ロテインキナーゼキナーゼ 2			
2896	0.184335	-4.71383	3.29148
39755_at	Z93930	7494	Hs.149923
T	TS	T	Xボックス 結合タ
ンパク質1			
2897	0.554386	-6.31014	4.91472
37955_at	AB015631	10330	Hs.8752
T	TS	T	膜貫通タンパク質
4			
2898	0.544487	-2.97858	2.78255
1904_at	D50692	26292	Hs.78221
T	TS		c-myc結合タンパク質
2899	0.313158	-3.30792	2.32211
34797_at	AF014402	8611	Hs.41569
T	TS		ホスファチジン酸
ホスファターゼ型2A			
2900	0.36182	-2.67717	2.0526
38313_at	AB028985	20	Hs.94806
T	TS		"ATP-結合カセット, サ
ブファミリーA(ABC1), メンバー2"			
2901	0.547477	-3.18806	2.68446
38264_at	U74324	5877	Hs.90875
T	TS	T	RAB 相互作用因子
2902	0.385686	-2.55773	2.05906
41511_at	U18259	4261	Hs.3076
T	TS		MHCクラスII トラン
ス活性化因子			

2903	0.421239	-2.51875	2.06808
41817_g_at	AL049851	29775	Hs.57
973	T	TS	カスパーゼ補
充ドメインタンパク質 10			
2904	0.512265	-5.2109	3.72964
35272_at	AI541042	2787	Hs.356668
T	TS		"グアニンヌクレオ
チド結合タンパク質(Gタンパク質), γ 5"			
2905	0.640398	-5.80135	4.27392
36160_s_at	U81561	5799	Hs.74624
T	TS	T	"タンパク質チロ
シンホスファターゼ, レセプター型, N ポリペプチド 2"			
2906	0.838801	-5.86636	4.61805
38324_at	AD000684	7392	Hs.93649
T	TS		"上流転写因子2,
c-fos 相互作用"			
2907	0.709983	-5.14168	4.00921
41585_at	AB018289	23231	Hs.4950
0	T	TS	KIAA0746タンパク
質			
2908	0.336002	-3.12208	2.28936
809_at	U57094	5873	Hs.50477
T	TS		"RAB27A, メンバーRAS
オンコジーンファミリー"			
2909	0.164799	-2.92178	1.91049
38102_at	W28575		
T	TS		
2910	0.641422	-3.84716	3.2947
410_s_at	X57152	1460	Hs.165843
T	TS	T	"カゼインキナーゼ
2, β ポリペプチド"			
2911	0.344743	-2.76708	2.17869
40154_at	AL096725	26140	Hs.2890
10	T	TS	DKFZP434B103タ
ンパク質			
2912	0.399814	-4.26722	3.16857
39916_r_at	J02984	6209	Hs.13323
0	T	TS	リボソームタンパ
ク質 S15			
2913	0.411932	-4.11878	3.11125
895_at	L19686	4282	Hs.73798
T	TS		マクロファージ 移動抑
制因子(グリコシル化阻害因子)			
2914	0.685424	-4.81532	3.85339
32574_at	X59960	6609	Hs.77813
T	TS	T	"スフィンゴミエリ
ンホスホジエステラーゼ1, 酸リソソーム (酸スフィンゴミエリナーゼ)"			
2915	0.474734	-3.84435	2.97356
36201_at	D13315	2739	Hs.75207
T	TS		グリオキサラーゼ I

2916	0.54107	-2.75932	2.45214
38259_at	AB002559	6813	Hs.90535
T	TS	T	シンタキシン結合
タンパク質2			
2917	0.344058	-4.2091	3.00738
33821_at	AL034374	60481	Hs.25017
5	T	TS	酵母長鎖ポリ不飽
和脂肪酸伸長酵素2のホモログ			
2918	0.515557	-3.76426	3.0202
37930_at	U11700	540	Hs.84999
T	TS		"ATPase, Cu++ 輸送,
βポリペプチド(Wilson病)"			
2919	0.479811	-5.68975	4.07375
37141_at	U39840	3169	Hs.299867
T	TS	T	"肝細胞核因子3,
α"			
2920	0.223674	-2.74342	1.94653
35801_at	AF026816	3704	Hs.6817
T	TS		イノシントリホスフ
ァターゼ(ヌクレオシド三リン酸ピロホスファターゼ)			
2921	0.582284	-4.18841	3.06811
31545_at	AL031228	6015	Hs.35384
T	TS		リングフィンガー
タンパク質1			
2922	0.345604	-2.81676	1.98925
36954_at	D86972	9797	Hs.75863
T	TS	T	KIAA0218遺伝子産物
2923	0.423717	-4.26795	2.89158
1715_at	U37518	8743	Hs.83429
T	TS	T	"腫瘍壊死因子(リガ
ンド)スーパーファミリー,メンバー10"			
2924	0.815263	-6.83249	4.81422
39876_at	AL035252	955	Hs.12330
T	TS	T	エクトヌクレオシ
ド三リン酸ジホスホヒドロラーゼ6(推定機能)			
2925	0.539732	-2.54847	2.15428
41698_at	AL031685	55905	Hs.1059
0	T	TS	ジンクフィンガー
タンパク質313			
2926	0.568321	-3.8198	2.8676
147_at	U82130	7251	Hs.118910
T	TS		腫瘍感受性遺伝子101
2927	0.633555	-2.74147	2.4035
34648_at	Z12830	6745	Hs.250773
T	TS	T	"シグナル配列レセ
プター,α(トランスロコン関連タンパク質α)"			
2928	0.410759	-4.73892	3.07298
41834_g_at	AB016492	10899	Hs.63
96	T	TS	ジャンピング転
座ブレークポイント			

2929	0.744183	-4.12174	3.25881
34027_f_at	AA010078	8362	Hs.910
31 T	TS		"H4ヒストンファ
ミリー, メンバーD"			
2930	0.866215	-2.71532	2.71728
35309_at	U20428	6768	Hs.56937
T	TS	T	"腫瘍形成能 14の抑
制 (結腸癌, マトリプターゼ, エピシン)"			
2931	0.713941	-4.63537	3.47268
35127_at	AI039144	3012	Hs.12101
7 T	TS	T	"H2Aヒストンフ
ァミリー, メンバーA"			
2932	0.807625	-4.51625	3.55555
34352_at	AA631698	5092	Hs.3192
T	TS	T	肝細胞 核因子1α
(TCF1)の6-ピルボイル-テトラヒドロプテリンシンターゼ/二量化補因子			
2933	0.9492	-3.07914	3.01971
39217_at	AL109674		
T	TS		
2934	0.496997	-3.41997	2.50706
34643_at	M58458	6191	Hs.108124
T	TS	T	"リボソームタンパ
ク質 S4, X結合"			
2935	0.197754	-2.9282	1.80092
41286_at	X77753	4070	Hs.23582
T	TS	T	腫瘍関連カルシウム
シグナルトランスデューサー 2			
2936	0.6719	-4.81455	3.46936
41111_at	U68418	587	Hs.101408
T	TS	T	"分枝鎖アミノラン
スフェラーゼ2, ミトコンドリア"			
2937	0.595363	-3.57856	2.72796
34821_at	AL050197	25901	Hs.4446
8 T	TS		DKFZP586D0623タ
ンパク質			
2938	0.562396	-3.20346	2.48623
37117_at	Z83838	23779	Hs.102336
T	TS	T	Rho GTPase活性化
タンパク質8			
2939	0.691756	-4.52939	3.55579
32553_at	M94046	4150	Hs.7647
T	TS	T	MYC関連 ジンクフィ
ンガータンパク質(プリン結合転写因子)			
2940	0.333921	-2.75912	2.01444
39273_at	AL022718	4068	Hs.15154
4 T	TS		"SH2ドメインタン
パク質 1A, Duncan's病 (リンパ球増殖性症候群)"			
2941	0.529659	-3.37585	2.65283
33880_at	D89053	2181	Hs.268012
T	TS		"脂肪酸-補酵素Aリ

ガーゼ, 長鎖3"

2942	0.402998	-3.37394	2.45734
40004_at	X91868	6495	Hs.54416
T	TS		サイン眼科医ホメオ
ボックスホモログ1 (Drosophila)			
2943	0.619735	-5.26448	3.82472
38262_at	AF052107		
T	TS		
2944	0.565743	-2.52816	2.25397
1810_s_at	D10495	5580	Hs.155342
T	TS	T	"プロテインキナ
ーゼC, δ "			
2945	0.44916	-3.28571	2.46472
31568_at	U14972	6204	Hs.76230
T	TS		リボソームタンパク質
S10			
2946	0.450566	-4.70988	3.23209
36676_at	AL031659	2691	Hs.37023
T	TS		成長ホルモン放出
ホルモン			
2947	0.531802	-2.78596	2.3195
1680_at	D43772	2886	Hs.86859
T	TS		成長因子レセプター結
合タンパク質 7			
2948	0.593024	-4.90962	3.52863
35710_s_at	U95006		
T	TS		
2949	0.429616	-4.18636	2.89373
34840_at	AI700633		
T	TS		
2950	1.01398	-5.87532	4.69101
34310_at	Y00486	353	Hs.28914
T	TS	T	アデニンホスホリボシ
ルトランスフェラーゼ			
2951	0.556913	-3.16191	2.54193
40225_at	D88435	2580	Hs.153227
T	TS		サイクリン G関連キ
ナーゼ			
2952	0.632957	-4.62275	3.44788
367_at	Z29067	4752	Hs.2236
T	TS		NIMA(有糸分裂遺伝子 a
にはない)関連キナーゼ3			
2953	0.61023	-3.74401	2.9466
35214_at	AF061016	7358	Hs.28309
T	TS	T	UDP-グルコースデヒ
ドロゲナーゼ			
2954	0.770516	-3.70945	3.17511
1218_at	X12794	2063	Hs.239752
T	TS		"核レセプターサブフ
ァミリー2, 群F, メンバー6"			

2955	0.789072	-4.60091	3.32904
41596_s_at	U43572	4669	Hs.50727
T	TS		"N-アセチルグルコ
サミニダーゼ, α -(Sanfilippo病 IIIB)"			
2956	0.410539	-3.14199	2.07989
41740_at	W28522	403	Hs.182215
T	TS		ADP-リボシル化因子
様 3			
2957	0.818933	-3.01108	2.61592
246_at	M25629	3816	Hs.123107
T	TS		"カリクレイン 1, 腎
臓/脾臓/唾液"			
2958	0.535451	-3.41898	2.37208
33453_at	AI400326		
T	TS		
2959	0.761454	-4.5224	3.23328
1009_at	U51004	3094	Hs.256697
T	TS		ヒスチジン三連ヌクレ
オチド結合タンパク質			
2960	0.726145	-4.77508	3.29085
38010_at	AF002697	664	Hs.79428
T	TS	T	BCL2/アデノウイル
スE1B 19kD相互作用タンパク質3			
2961	0.499716	-2.48784	1.89339
39632_at	X75308	4322	Hs.2936
T	TS		マトリックスメタロプ
ロテイナーゼ13(コラゲナーゼ 3)			
2962	0.770109	-4.37376	3.12
35371_at	M83822	987	Hs.62354
T	TS		"小胞輸送, ビーチおよび
アンカー含有"			
2963	0.636089	-2.70405	2.17539
32550_r_at	Y11525	1050	Hs.76171
T	TS		"CCAAT/エンハンサ
ー結合タンパク質(C/EBP), α "			
2964	0.438301	-2.46074	1.77476
35190_at	AL031447	9903	Hs.7764
T	TS		KIAA0469遺伝子産物
2965	0.60862	-3.71218	2.60248
38832_r_at	AF053356	2056	Hs.2303
T	TS		エリスロポイエチ
ン			
2966	0.851249	-4.91538	3.51135
977_s_at	Z35402	999	Hs.194657
T	TS		"カドヘリン 1, 型 1,
E-カドヘリン (上皮)"			
2967	0.816997	-3.14406	2.64411
37706_at	U28811	2734	Hs.78979
T	TS		ゴルジ装置タンパク
質 1			

2968	0.495165	-4.0934	2.8087
37534_at	Y07593	1525	Hs.79187
T	TS	T	コクサッキーウイルス
およびアデノウイルスレセプター			
2969	0.8672	-6.68299	4.68165
35766_at	M26326	3875	Hs.65114
T	TS	T	ケラチン 18
2970	0.268854	-2.62773	1.73119
40931_at	AL080084	50999	Hs.3489
96	T	TS	CGI-100タンパク
質			
2971	0.740296	-3.27033	2.72743
37274_at	AF018631	686	Hs.78885
T	TS		ビオチニダーゼ
2972	0.698944	-4.73886	3.40209
41456_at	AB019410	5188	Hs.11127
T	TS		PET112様 (酵母)
2973	0.909577	-4.07712	3.39153
31521_f_at	X60484	8363	Hs.27848
3	T	TS	"H4ヒストンファ
ミリー, メンバーE"			
2974	0.59092	-3.15198	2.46973
41451_s_at	W28498	56909	Hs.11079
6	T	TS	SAR1タンパク質
2975	0.533393	-2.74529	2.18112
36460_at	AF008442	9533	Hs.5409
T	TS		RNA ポリメラーゼ I
サブユニット			
2976	0.694812	-5.3962	3.74195
35342_at	AF052159		
T	TS		
2977	0.381546	-3.95792	2.5478
33267_at	AF035315		
T	TS		
2978	0.726493	-2.74822	2.3926
40935_at	W28516	84975	Hs.19210
T	TS		仮想タンパク質MGC11
308			
2979	0.847964	-3.23791	2.78861
32611_at	X75252	5037	Hs.80423
T	TS		前立腺結合タンパク
質			
2980	0.65826	-3.2125	2.50228
41198_at	AF055008	2896	Hs.180577
T	TS		グラニューリン
2981	0.609561	-2.84504	2.31271
37555_at	X95263	5822	Hs.79380
T	TS	T	PWP2 周期的トリプ
トファンタンパク質ホモログ (酵母)			
2982	0.74874	-4.94165	3.54307

35631_at	U37689	5437	Hs.3128
T	TS	T	ポリメラーゼ (RNA) I
I (DNA指向性) ポリペプチドH			
2983	0.87314	-3.01869	2.77722
33592_at	AF007833	51043	Hs.15926
5 T	TS		kruppel関連ジン
クフィンガータンパク質hcKrox			
2984	0.712745	-2.43098	2.25097
39352_at	S70585	1081	Hs.119689
T	TS		"糖タンパク質ホル
モン, αポリペプチド"			
2985	0.760963	-3.57912	2.87517
36317_at	U57057	7464	Hs.44396
T	TS		"コロニン, アクチン
結合タンパク質, 2A"			
2986	0.964615	-6.13092	4.41679
37000_at	AL035304	25874	Hs.7628
5 T	TS	T	DKFZP564B167タ
ンパク質			
2987	0.304675	-3.27637	2.04796
38055_at	AI683748	5439	Hs.80475
T	TS		ポリメラーゼ (RNA
) II (DNA指向性) ポリペプチドJ (13.3kD)			
2988	0.51423	-4.28431	2.8323
36127_g_at	U18919	80347	Hs.296422
T	TS	T	ヌクレオチド結合
タンパク質			
2989	1.02404	-5.51349	4.18616
40821_at	M61832	191	Hs.172673
T	TS	T	S-アデノシルホモシ
ステイン ヒドロラーゼ			
2990	0.827738	-3.21703	2.78634
39089_at	Y07604	4833	Hs.9235
T	TS		"非転移性細胞 4, タン
パク質 発現"			
2991	3.09324	-3.74568	1.50193
32806_at	M36035	706	Hs.202
T	BNT	T	ベンゾジアゼピンレセ
プター(末梢)			
2992	2.37249	-2.84965	1.18448
38667_at	AA189161	51031	Hs.27906
1 T	BNT		CGI-150タンパク
質			
2993	1.90518	-2.62611	0.942107
36643_at	L20817	780	Hs.75562
T	BNT		"ジスコイジンドメイ
ンレセプターファミリー, メンバー1"			
2994	2.42513	-2.30312	1.432
36977_at	U39412	8775	Hs.75932
T	BNT		"N-エチルマレイミド感

受性因子 付着タンパク質, α "

2995	3.28867	-4.26147	1.65767	
37692_at	AI557240	1622	Hs.78888	
T	BNT		"ジアゼパム結合イ	
ンヒビター(GABAレセプターモジュレーター, アシル-補酵素 A結合タンパク質)"				
2996	2.8348	-3.80716	1.37552	
38078_at	AF042166	2317	Hs.81008	
T	BNT		"フィラミンB, β (	
アクチン結合タンパク質278)"				
2997	2.18242	-3.08057	1.02448	
37023_at	J02923	3936	Hs.16488	
T	BNT		リンパ球サイトゾル	
タンパク質 1(L-プラスチン)				
2998	3.5277	-3.85781	1.66527	
40415_at	X14813	30	Hs.166160	
T	BNT		アセチル-補酵素A ア	
シルトランスフェラーゼ 1 (ペルオキシソーム 3-オキシアシル-補酵素 A チオラーゼ)				
2999	2.45006	-3.1685	1.08906	
37821_at	AF041260	8537	Hs.129057	
T	BNT		乳癌増幅配列1	
3000	2.94306	-2.89785	1.50967	
41028_at	AJ001515	6263	Hs.9349	
T	BNT		リアノジンレセプタ	
ー3				
3001	2.57948	-2.69238	1.12499	
32479_at	AF018253	8792	Hs.114676	
T	BNT		"腫瘍壊死因子レ	
セプタースーパーファミリー, メンバー11a, NFkBの活性化因子"				
3002	3.02553	-3.47846	1.27408	
32584_at	D38047	5714	Hs.78466	
T	BNT		"プロテアソーム(ブ	
ロソーム, マクロペイン)26Sサブユニット, 非ATPase, 8"				
3003	2.5639	-2.90273	1.12081	
38873_at	AB018343	9730	Hs.118738	
T	BNT		KIAA0800遺伝子産	
物				
3004	2.38684	-2.56538	0.536618	
39385_at	M22324	290	Hs.1239	
T	BNT		"アラニル(膜) アミ	
ノペプチダーゼ (アミノペプチダーゼN, アミノペプチダーゼ M, ミクロソーム アミノ				
ペプチダーゼ, CD13, p150)"				
3005	2.41555	-1.81145	0.849938	
1681_at	X03635	2099	Hs.1657	
T	BNT		エストロゲンレセプタ	
ー 1				
3006	2.48045	-1.57912	1.0905	
36984_f_at	X89214	3250	Hs.328822	
T	BNT		ハプトグロビン関	
連タンパク質				
3007	2.88373	-2.6825	0.957998	

40421_at	U49070	5300	Hs.161362
T	BNT		タンパク質(ペプチ
ジループロニル シス/トランス イソメラーゼ) NIMA相互作用 1			
3008	2.49805	-2.29679	0.842665
37514_s_at	AB008047	10747	Hs.11
9983	T	BNT	マンナン結合
レクチン セリン プロテアーゼ2			
3009	2.41347	-1.91232	0.992951
2080_s_at	L04791	2074	Hs.99924
T	BNT		"除去修復交差補完
げっ歯類修復欠損,相補群 6"			
3010	3.04012	-3.02244	1.17343
41383_at	AJ001403	4586	Hs.103707
T	BNT		"ムチン 5, サブ
タイプ AおよびC,気管気管支/胃"			
3011	2.61601	-2.45851	0.988414
38285_at	AF039397	1428	Hs.924
T	BNT		"クリスタリン, μ "
3012	3.48218	-3.00638	1.42632
34790_at	S70154	39	Hs.278544
T	BNT		アセチル-補酵素A ア
セチルトランスフェラーゼ 2 (アセトアセチル 補酵素 A チオラーゼ)			
3013	3.36352	-2.96275	1.36159
32817_at	AL096881	23541	Hs.27772
8	T	BNT	SEC14様 2 (S. c
erevisiae)			
3014	1.75201	-3.24188	1.50326
41763_g_at	D64015	7073	Hs.182741
T	BNT		TIA1 細胞傷害性
顆粒関連 RNA結合タンパク質様1			
3015	2.76106	-4.76325	2.371
36417_s_at	AF035295		
T	BNT		
3016	1.79164	-3.08258	1.53306
40669_at	U57094	5873	Hs.50477
T	BNT		"RAB27A, メンバーRA
Sオンコジーンファミリー"			
3017	2.06135	-3.03022	1.76909
35714_at	U89606	8566	Hs.38041
T	BNT		"ピリドキサル (ピリ
ドキシン, ビタミンB6)キナーゼ"			
3018	1.67561	-2.92853	1.41146
40459_at	S69189	51	Hs.100009
T	BNT		"アシル-補酵素 A オ
キシダーゼ 1, パルミトイル"			
3019	1.81044	-2.79926	1.53244
40609_at	AI475497	57680	Hs.17342
1	T	BNT	KIAA1564タンパ
ク質			
3020	1.82433	-2.60878	1.5598

35749_at	AF069733	10474	Hs.158196
T	BNT		"転写al アダプタ
ー 3(ADA3, 酵母ホモログ)様	(PCAFヒストン アセチルase複合体)"		
3021	1.52856	-3.09149	1.19727
39391_at	AF052135	10617	Hs.12479
T	BNT		STAMのSH3ドメイ
ンを含む関連分子			
3022	2.05589	-2.7523	1.68663
31778_at	U34802	2703	Hs.157433
T	BNT		"ギャップ結合タンパ
ク質, α 8,50kD (コネキシン 50)"			
3023	1.64451	-2.53458	1.33112
34241_at	L34357	2626	Hs.243987
T	BNT		GATA 結合タンパク
質4			
3024	2.22796	-3.40124	1.74027
41865_at	AF052185	91647	Hs.13434
T	BNT		酵母 ATP12のホモ
ログ			
3025	1.85251	-2.92215	1.45417
38780_at	J04794	10327	Hs.89529
T	BNT	T	"アルド-ケトレダ
クターゼファミリー1, メンバーA1 (アルデヒドレダクターゼ)"			
3026	2.97085	-4.5124	2.3665
37809_at	U41813	3205	Hs.127428
T	BNT	T	ホメオボックス A9
3027	2.2214	-3.68296	1.74408
41172_at	AA126515	51109	Hs.179817
T	BNT		CGI-82タンパク質
3028	2.21804	-3.00686	1.7936
33754_at	U43203	7080	Hs.197764
T	BNT		甲状腺転写因子1
3029	2.17266	-2.99145	1.75242
31690_at	U08997	8307	Hs.272497
T	BNT		グルタミン酸デヒド
ログナーゼ-2			
3030	2.23325	-3.13829	1.67855
33931_at	X71973	2879	Hs.2706
T	BNT		グルタチオン ペルオ
キシダーゼ 4 (リン脂質ヒドロペルオキシダーゼ)			
3031	1.97204	-2.6905	1.4685
40377_at	AB014582	9904	Hs.7482
T	BNT		KIAA0682遺伝子産物
3032	2.96868	-4.11631	2.31749
37417_at	M36542	5452	Hs.1101
T	BNT		"POUドメイン, クラス
2, 転写因子2"			
3033	1.85822	-3.29998	1.36514
37359_at	D14658	9789	Hs.77665
T	BNT		KIAA0102遺伝子産物

3034	2.61989	-4.45928	1.92541
39389_at	M38690	928	Hs.1244
T	BNT		CD9抗原 (p24)
3035	2.08267	-2.57923	1.61711
36281_at	M96739	4807	Hs.30956
T	BNT		不可知のヘリックス
ループヘリックス1			
3036	1.92423	-2.72733	1.24754
32722_at	U82256	384	Hs.172851
T	BNT		"アルギナーゼ, I型I"
3037	2.23644	-3.3115	1.39287
36170_at	D83198	23474	Hs.7486
T	BNT		甲状腺で発現されるタ
ンパク質			
3038	2.43717	-2.92902	1.63844
35159_at	U61232	6905	Hs.343564
T	BNT		チューブリン特異的
シャペロン e			
3039	2.47578	-2.68003	1.7013
33785_at	AB005298	576	Hs.200586
T	BNT		脳特異的血管形成
インヒビター 2			
3040	2.4269	-3.75337	1.65948
33409_at	AA158243	2286	Hs.227729
T	BNT		FK506 結合タンパ
ク質2(13kD)			
3041	2.50561	-3.79131	1.74336
35791_at	AF038961	9526	Hs.6710
T	BNT		マンノース-P-ドリ
コール利用欠損 1			
3042	1.95036	-2.46811	1.42896
38174_at	X99688	5662	Hs.154658
T	BNT		プレクストリンおよ
びSec7ドメインタンパク質			
3043	1.98705	-2.79098	1.31426
32510_at	AF026947	8574	Hs.6980
T	BNT		"アルド-ケトレダク
ターゼファミリー7, メンバーA2 (アフラトキシシナルデヒドレダクターゼ)"			
3044	1.82927	-2.45445	1.22071
37900_at	AF093670	8799	Hs.83023
T	BNT		ペルオキシソーム
生物発生因子11B			
3045	2.1026	-2.99987	1.40349
35231_at	X12791	6728	Hs.2943
T	BNT		シグナル認識粒子 19kD
3046	2.79617	-3.93135	1.86615
33421_s_at	AB016247	6309	Hs.2880
31	T	BNT	"ステロール-C5
-不飽和化酵素 (真菌ERG3, δ -5-不飽和化酵素)様"			
3047	2.33059	-3.27045	1.55276

31844_at	AF000573	3081	Hs.15113
T	BNT		"ホモゲンチシン酸
1,2-ジオキシゲナーゼ (ホモゲンチシン酸オキシダーゼ)"			
3048	1.92365	-2.41164	1.34444
37584_at	AJ007669	2189	Hs.8047
T	BNT		"Fanconi貧血, 相補
群 G"			
3049	1.78108	-2.42294	1.22896
34836_at	U18420	5878	Hs.479
T	BNT		"RAB5C, メンバーRASオ
ンコジーンファミリー"			
3050	2.93369	-4.44778	1.975
34308_at	U90551	8334	Hs.28777
T	BNT	T	"H2Aヒストンファミリ
ー, メンバーL"			
3051	2.40245	-3.50287	1.63975
40920_at	AF023158	8555	Hs.22116
T	BNT		CDC14 細胞分裂周
期14ホモログ B(S. cerevisiae)			
3052	2.7184	-3.51611	1.52777
38080_at	AI525665	1351	Hs.374980
T	BNT		シトクロムc オキ
シダーゼサブユニット VIII			
3053	2.11401	-2.53599	1.22113
1729_at	L41690	8717	Hs.89862
T	BNT		死ドメインを介するT
NFRSF1A関連			
3054	2.77852	-3.46509	1.72377
34132_at	AB028977	22987	Hs.22597
4 T	BNT		KIAA1054タンパ
ク質			
3055	1.73724	-2.73719	1.01234
36453_at	AB018254	9920	Hs.5333
T	BNT		KIAA0711遺伝子産物
3056	1.93544	-2.81219	1.14904
35799_at	AL080081	4189	Hs.6790
T	BNT		"DnaJ (Hsp40)ホモ
ログ, サブファミリーB, メンバー9"			
3057	2.4572	-2.74937	1.59706
36193_at	U52522	23647	Hs.75139
T	BNT	T	RAC1のパートナー (
アルファブチン2)			
3058	2.27351	-3.1596	1.29294
38257_at	AF038406	4728	Hs.90443
T	BNT	T	NADHデヒドロゲナ
ーゼ (ユビキノン)Fe-Sタンパク質 8 (23kD) (NADH-補酵素 Q レダクターゼ)			
3059	2.02612	-2.77321	1.15468
36994_at	M62762	527	Hs.76159
T	BNT		"ATPase, H+ 輸送, リ
ソソーム (空胞プロトンポンプ)16kD"			

3060	1.76566	-2.40556	1.04815
39921_at	AI526089	1329	Hs.1342
T	BNT		シトクロムc オキシ
ダーゼサブユニットVb			
3061	2.43088	-3.43155	1.40596
39733_at	AF055001	9709	Hs.146393
T	BNT		"ホモシステイン
誘導性, 小胞体ストレス誘導性, ユビキチン様ドメイン メンバー1"			
3062	2.04486	-2.83317	1.19012
319_g_at	D64142	8971	Hs.109804
T	BNT		"H1ヒストンファミ
リー, メンバーX"			
3063	1.89404	-4.38162	2.71128
32634_s_at	U38260	3382	Hs.167927
T	BNT	T	島細胞自己抗原1
(69kD)			
3064	1.24686	-2.643	1.76259
1700_at	U82987	27113	Hs.87246
T	BNT		Bcl-2結合成分 3
3065	2.27411	-5.19327	3.23222
31749_f_at	Z98744	3009	Hs.131956
T	BNT		"H1ヒストンファ
ミリー, メンバー5"			
3066	1.02861	-3.00363	1.54066
33271_r_at	AJ005821	1657	Hs.1810
T	BNT		Dmx様 1
42			
3067	1.8984	-3.84185	2.61032
35639_at	D14823		T
	BNT		
3068	1.22271	-3.27803	1.78104
291_s_at	J04152	4070	Hs.23582
T	BNT	T	腫瘍関連カルシウム
シグナルトランスデューサー 2			
3069	1.69219	-3.72273	2.37096
37719_at	AF070539	8079	Hs.79026
T	BNT	T	骨髄性白血病因子
2			
3070	0.872062	-2.72759	1.32367
36685_at	W63793	262	Hs.262476
T	BNT		S-アデノシルメチオ
ニン脱炭酸酵素 1			
3071	1.19954	-2.58677	1.72079
37464_at	AF048755	5194	Hs.115240
T	BNT		ペルオキシソーム
生物発生因子 13			
3072	1.92992	-3.63854	2.70487
38434_at	M95627	14	Hs.83347
T	BNT	T	"血管関連, 遊走細胞
タンパク質"			
3073	1.66735	-3.46817	2.3829

38208_at	AB021981	23443	Hs.159322
T	BNT		"溶質キャリアフ
ファミリー35(UDP-N-アセチルグルコサミン (UDP-GlcNAc) トランスポーター), メンバー3			
"			
3074	1.45782	-3.55022	2.16173
1676_s_at	M55409	1937	Hs.2186
T	BNT	T	真核生物翻訳伸長因
子1 γ			
3075	1.8472	-3.9884	2.66495
39595_at	AL049699	112611	Hs.26771
T	BNT		仮想タンパク質MGC
13523			
3076	1.64458	-3.06667	2.30534
32046_at	D10495	5580	Hs.155342
T	BNT	T	"プロテインキナー
ゼC, δ "			
3077	1.96826	-4.99784	2.97824
153_f_at	X00088	8970	Hs.285735
T	BNT		"H2Bヒストンファミ
リー, メンバーR"			
3078	1.72555	-3.87299	2.57966
31662_at	U35246	11311	Hs.6650
T	BNT		空胞タンパク質選別
45A (酵母)			
3079	1.15101	-2.53457	1.71456
41583_at	AC004770	745	Hs.184640
T	BNT		染色体 11オープン
リーディングフレーム9			
3080	1.14929	-2.8545	1.73949
262_at	M21154	262	Hs.262476
T	BNT		S-アデノシルメチオニン
脱炭酸酵素 1			
3081	0.953944	-3.3347	1.59274
41790_at	AL031230	2822	Hs.272529
T	BNT		グリコシルホスフ
ァチジルイノシトール特異的ホスホリパーゼ D1			
3082	1.56098	-3.37377	2.30002
762_f_at	AB000905	8294	Hs.248172
T	BNT		"H4ヒストンファ
ミリー, メンバーM"			
3083	1.17372	-2.47228	1.71989
34917_at	X75962	7293	Hs.129780
T	BNT		"腫瘍壊死因子レセ
プタースーパーファミリー, メンバー4"			
3084	1.2221	-2.85945	1.49891
37395_at	D49400	9296	Hs.78089
T	BNT		"ATPase, 空胞, 14 kD
"			
3085	1.31934	-2.42172	1.57386
41675_at	AB014556	9892	Hs.12477

	T	BNT		"シナプトソーム関
連タンパク質, 91 kDaホモログ (マウス)"				
3086	1.42979	-2.54483	1.69372	
37751_at	D87444	9777	Hs.79305	
T	BNT		KIAA0255遺伝子産物	
3087	1.25543	-2.52884	1.50885	
36136_at	AF010315	9537	Hs.96908	
T	BNT		p53誘導タンパク質	
3088	1.52862	-2.49242	1.7979	
31541_at	X98307	54735	Hs.84168	
T	BNT		"UV-B 抑制配列, HUR	
7"				
3089	1.36483	-3.04458	1.64495	
33988_at	X75861	7009	Hs.74637	
T	BNT	T	精巣増強遺伝子 転	
写物 (BAXインヒビター1)				
3090	1.24284	-2.6489	1.49372	
35841_at	N24355	5441	Hs.71618	
T	BNT	T	ポリメラーゼ (RNA)	
II (DNA指向性) ポリペプチドL (7.6kD)				
3091	2.00615	-3.55514	2.34432	
35620_at	AF043250	10452	Hs.30928	
T	BNT		染色体 19 (固有	
) 1177 発現配列におけるDNAセグメント				
3092	1.77712	-2.85784	2.0639	
39280_at	U80744	10695	Hs.56828	
T	BNT		トリヌクレオチド繰	
り返し含有 5				
3093	2.01008	-4.0763	2.44495	
40218_at	U60808	1040	Hs.152981	
T	BNT	T	CDP-diアシルグリセ	
ロールシンターゼ(ホスファチジン酸シチジリルトランスフェラーゼ) 1				
3094	2.14269	-4.8153	2.65223	
217_at	S39329	3817	Hs.181350	
T	BNT		"カリクレイン 2, 前立	
腺"				
3095	1.41668	-3.21583	1.7564	
41683_i_at	U50708	594	Hs.1265	
T	BNT		"分枝鎖ケト酸デヒド	
ロゲナーゼ E1, β ポリペプチド (カエデシロップ尿病)"				
3096	1.67938	-3.45828	2.09128	
35232_f_at	AI056696	1070	Hs.2946	
3	T	BNT	"セントリン, EF	
-handタンパク質, 3(CDC31ホモログ, 酵母)"				
3097	1.25607	-2.45415	1.55628	
41140_at	U05875	3460	Hs.177559	
T	BNT	T	インターフェロン	
γ レセプター2 (インターフェロン γ トランスデューサ 1)				
3098	1.2447	-2.72986	1.54637	

31330_at	M81757	6223	Hs.298262
T	BNT		リボソームタンパク
質 S19			
3099	2.32828	-4.57762	2.86372
32213_at	AA203527	10248	Hs.18747
T	BNT		"POP7 (前駆体の
プロセッシング,S. cerevisiae)ホモログ"			
3100	1.76982	-2.74387	2.12139
31497_at	U19142	2543	Hs.176660
T	BNT		G抗原 1
3101	0.945546	-2.42428	1.26348
41352_at	X62822	6480	Hs.2554
T	BNT		"シアリルトランスフ
ェラーゼ1 (β -ガラクトシド α -2,6-シアリルトランスフェラーゼ)"			
3102	1.78841	-3.6338	2.30168
36501_at	S87759	5494	Hs.57764
T	BNT		"プロテインホスファ
ターゼ1A (以前は2C), マグネシウム依存性, α アイソフォーム"			
3103	1.12254	-2.4021	1.4559
503_at	U37690	5441	Hs.71618
T	BNT	T	ポリメラーゼ (RNA) II
(DNA指向性) ポリペプチドL (7.6kD)			
3104	2.59792	-5.23226	3.31593
41814_at	M29877	2517	Hs.576
T	BNT		"フルコシダーゼ, α -L-
1, 組織"			
3105	1.73372	-3.52084	2.21998
39106_at	X02162	335	Hs.93194
T	BNT		アポリボタンパク質A-
I			
3106	1.40627	-3.32492	1.84269
40546_s_at	AF047185	4695	Hs.1638
67 T	BNT		"NADHデヒドロ
ゲナーゼ (ユビキノン)1 α 小複合体, 2 (8kD, B8)"			
3107	1.71598	-4.10399	2.20123
38397_at	U09196	57804	Hs.82520
T	BNT		"ポリメラーゼ (DNA
指向性), δ 4"			
3108	1.51916	-2.71427	1.87808
34964_at	N35832	8351	Hs.143042
T	BNT		"H3ヒストンファミ
リー, メンバーB"			
3109	2.16181	-3.65601	2.68184
38997_at	X96924	6576	Hs.111024
T	BNT		"溶質キャリアファ
ミリー25 (ミトコンドリアキャリア;クエン酸トランスポーター), メンバー1"			
3110	2.16839	-5.03886	2.79391
1514_g_at	M24543	354	Hs.171995
T	BNT		"カリクレイン 3, (
前立腺 特異的抗原)"			

3111	2.27744	-4.90224	2.90186
38292_at	AF093264	9455	Hs.93564
T	BNT		"Homer, ニューロ
ン最初期遺伝子,2"			
3112	2.06144	-4.2575	2.81276
41251_at	L40410	9326	Hs.2210
T	BNT		甲状腺ホルモンレセプ
ター インタラクター 3			
3113	1.82035	-5.07025	2.58912
37018_at	AI189287	3006	Hs.7644
T	BNT	T	"H1ヒストンファミ
リー, メンバー2"			
3114	1.1586	-2.75269	1.60486
38531_at	AA428150	79629	Hs.347130
T	BNT		仮想タンパク質FL
J22709			
3115	1.52876	-2.66842	2.01415
36850_at	U42360	7991	Hs.71119
T	BNT		推定前立腺癌腫瘍サ
プレッサ			
3116	1.71443	-3.2498	2.24273
37602_at	Z49878	2593	Hs.81131
T	BNT		グアニジノ酢酸 N-メ
チルトランスフェラーゼ			
3117	1.55229	-3.19531	2.06624
34651_at	M58525	1312	Hs.240013
T	BNT		カテコール-O-メチ
ルトランスフェラーゼ			
3118	2.2745	-4.88524	3.04414
38697_at	AL050274	25844	Hs.107747
T	BNT		DKFZP566C243タン
パク質			
3119	1.45929	-3.22625	1.96452
41024_f_at	X53004	2996	Hs.93223
T	BNT		グリコホリン E
3120	1.74673	-4.24423	2.34332
41833_at	AB016492	10899	Hs.6396
T	BNT		ジャンピング転座
ブレークポイント			
3121	1.66544	-4.0714	2.22838
40710_at	D86322	1047	Hs.86368
T	BNT		カルメジン
3122	1.83147	-3.22086	2.32325
33232_at	AI017574	1396	Hs.17409
T	BNT		システインリッチ
タンパク質 1 (腸)			
3123	1.74419	-4.00886	2.3457
35743_at	U79569	10898	Hs.6351
T	BNT		"切断およびポリアデ
ニル化特異的因子4,30kDサブユニット"			

3124	2.30688	-5.24962	3.07694
31693_f_at	Z80776	3013	Hs.239458
T	BNT		"H2Aヒストンファ
ミリー, メンバーG"			
3125	1.13519	-3.22281	1.57654
37593_at	X14608	5095	Hs.80741
T	BNT	T	"プロピオニル補酵
素 A カルボキシラーゼ, α ポリペプチド"			
3126	2.14294	-4.07217	2.13326
34996_at	U75329	7113	Hs.318545
T	BNT		"膜貫通プロテアー
ゼ, セリン2"			
3127	1.50292	-2.66383	1.4946
32980_f_at	AI688098	8347	Hs.35690
1 T	BNT		"H2Bヒストンフ
ァミリー, メンバーL"			
3128	2.50616	-5.06178	2.51464
286_at	L19779	8337	Hs.795
T	BNT		"H2Aヒストンファミリー,
メンバー0"			
3129	1.96834	-2.84837	1.9787
1584_at	M34065	995	Hs.656
T	BNT		細胞分裂周期25C
3130	1.48894	-2.52873	1.45476
37222_at	X79389	2952	Hs.77490
T	BNT		グルタチオン S-トラ
ンスフェラーゼ 01			
3131	2.11941	-3.28544	2.06442
37641_at	D28915	10561	Hs.82316
T	BNT		"インターフェロン
誘導性, C型肝炎関連微小管凝集タンパク質 (44kD)"			
3132	1.95961	-2.90281	1.91249
40514_at	AF091085	51614	Hs.16999
2 T	BNT		血清学的に規定
された乳癌抗原84			
3133	1.88957	-3.17738	1.85843
31883_at	AF025794	4552	Hs.153792
T	BNT		5-メチルテトラヒ
ドロ葉酸-ホモシステインメチルトランスフェラーゼ レダクターゼ			
3134	1.09629	-2.56121	1.07228
39174_at	X77548	8031	Hs.99908
T	BNT		核レセプター共活性
化因子 4			
3135	1.96863	-2.49408	1.94705
33804_at	U43522	2185	Hs.20313
T	BNT		タンパク質 チロシン
キナーゼ 2 β			
3136	2.59547	-5.13211	2.56529
1661_i_at	M21896	354	Hs.171995
T	BNT		"カリクレイン 3, (

前立腺 特異的抗原)"

3137	1.35982	-2.87395	1.34131
40364_at	U83460	1317	Hs.73614
T	BNT		"溶質キャリアファミ

リー31 (銅トランスポーター), メンバー1"

3138	2.24261	-4.12027	1.96707
32715_at	N90862	8673	Hs.172684
T	BNT		小胞関連膜タンパク

質 8 (エンドブレビン)

3139	2.27089	-3.95785	2.03764
954_s_at	L07395	5501	Hs.79081
T	BNT		"プロテインホスファ

ターゼ1, 触媒性サブユニット, γ アイソフォーム"

3140	1.93515	-3.76142	1.73377
38469_at	M35252	7103	Hs.84072
T	BNT		膜貫通 4スーパーフ

ファミリー メンバー3

3141	1.61535	-2.70148	1.46668
37386_i_at	X55885	10945	Hs.78040
T	BNT	T	KDEL (Lys-Asp-G

lu-Leu) 小胞体タンパク質保持レセプター1

3142	2.5306	-3.86241	2.34591
40955_at	U79287	53635	Hs.19555
T	BNT	T	前立腺 腫瘍過剰発

現遺伝子 1

3143	2.0687	-3.42815	1.92074
38657_s_at	M20471	1211	Hs.104143
T	BNT		"クラスリン, 軽ポ

リペプチド (Lca)"

3144	1.47775	-2.46182	1.37357
33656_at	D23661	6167	Hs.337445
T	BNT		リボソームタンパク

質 L37

3145	1.67746	-3.27547	1.60722
32395_r_at	X55954	9349	Hs.234518
T	BNT		リボソームタンパ

ク質 L23

3146	1.56853	-2.97948	1.50156
35669_at	AB014533	23242	Hs.33010
T	BNT		KIAA0633タンパク

質

3147	2.64879	-4.0306	2.50019
41805_g_at	W80358	79703	Hs.55613
T	BNT		仮想タンパク質FLJ

22531

3148	1.84938	-2.72281	1.75911
37217_at	AI208485	3050	Hs.272003
T	BNT		"ヘモグロビン,

ζ "

3149	2.60439	-4.10066	2.47842

38911_at	U41815	4928	Hs.112255
T	BNT		ヌクレオポリン 98k
D			
3150	2.02746	-3.29198	1.9288
37267_at	Z50115	7064	Hs.78769
T	BNT		シメットオリゴペプチ
ダーゼ 1			
3151	2.58726	-4.91321	2.64073
1662_r_at	M21896	354	Hs.171995
T	BNT		"カリクレイン 3, (
前立腺 特異的抗原)"			
3152	1.58651	-2.62442	1.61979
34455_at	AL080125	7568	Hs.110956
T	BNT		ジंकフィンガー
タンパク質20(KOX 13)			
3153	2.05496	-3.65619	2.13621
33739_at	AL109714		
T	BNT		
3154	1.62176	-2.90796	1.68638
33875_at	AI547262	8992	Hs.24322
T	BNT		"ATPase, H+ 輸送,
リソソーム (空胞プロトンポンプ)9kD"			
3155	1.84147	-3.85737	1.90616
1804_at	X07730	354	Hs.171995
T	BNT		"カリクレイン3, (前
立腺 特異的抗原)"			
3156	1.83495	-2.70214	1.88689
32038_s_at	AI739308	10929	Hs.155
T	BNT		"スプライシン
160			
グ因子, アルギニン/セリンリッチ,46kD"			
3157	1.99635	-3.98568	2.1559
33352_at	X57985	8338	
T	BNT		"H2Aヒストンファミリー, メン
バーQ"			
3158	1.88504	-4.05909	2.05545
40794_at	X05332	354	Hs.171995
T	BNT		"カリクレイン 3, (
前立腺 特異的抗原)"			
3159	2.00252	-3.20391	2.15432
31668_f_at	W28193		
T	BNT		
3160	1.96264	-4.20958	2.11238
1805_g_at	X07730	354	Hs.171995
T	BNT		"カリクレイン 3, (
前立腺 特異的抗原)"			
3161	1.55275	-2.67118	1.64844
33434_at	AF007551	10282	Hs.23103
T	BNT	T	BET1ホモログ (S
. cerevisiae)			
3162	1.41608	-3.20098	1.4984

2016_s_at	M64241	6134	Hs.29797
T	BNT	T	リボソームタンパク
質 L10			
3163	1.39353	-2.46005	1.46105
39685_at	AL050282	25814	Hs.13493
T	BNT		マウス 脳タンパ
ク質 E46様			
3164	2.15268	-3.90631	2.28281
1087_at	M60459	2057	Hs.127826
T	BNT		エリスロポイエチン
レセプター			
3165	1.72036	-3.31831	1.82653
40217_s_at	U65887	1040	Hs.152981
T	BNT	T	CDP-di アシルグ
リセロールシンターゼ (ホスファチジン酸シチジリルトランスフェラーゼ) 1			
3166	1.84513	-2.83267	1.93691
38998_g_at	X96924	6576	Hs.111024
T	BNT		"溶質キャリアフ
ァミリー25 (ミトコンドリアキャリア;クエン酸トランスポーター), メンバー1"			
3167	1.42424	-2.81824	1.50712
36684_at	M21154	262	Hs.262476
T	BNT		S-アデノシルメチオ
ニン脱炭酸酵素 1			
3168	1.33036	-2.72246	1.41181
37325_at	D14697	2224	Hs.77393
T	BNT		"ファルネシル ジホ
スフェートシンターゼ (ファルネシル ピロホスフェートシンテターゼ, ジメチルアリル			
トランストランスフェラーゼ, ゲラニルトランストランスフェラーゼ)"			
3169	1.83134	-2.64959	1.92134
36836_at	AF016050	8829	Hs.69285
T	BNT		ニューロピリン 1
3170	1.87643	-4.12922	1.99893
38763_at	L29254	6652	Hs.878
T	BNT		ソルビトールデヒドロ
ゲナーゼ			
3171	1.53373	-3.27161	1.63296
37934_at	AL080078		
T	BNT		
3172	1.9162	-4.2702	2.16088
40629_at	L19783	5283	Hs.177
T	BNT		"ホスファチジルイノシト
ール グリカン, クラスH"			
3173	1.69682	-2.65539	1.86859
589_at	M32313	6715	Hs.552
T	BNT	T	"ステロイド-5- α -レダ
クターゼ, α ポリペプチド1 (3-オキシ-5 α -ステロイド δ 4-デヒドロゲナーゼ α 1)"			
3174	1.64151	-2.70084	1.78854
38830_at	U66685	23454	
T	BNT		"ATP-結合カセット, サブフ
ァミリーF(GCN20), メンバー3"			

3175	1.75682	-3.91045	1.95377
38792_at	AD001528	6611	Hs.89718
T	BNT	T	スペルミンシンタ
ーゼ			
3176	1.97634	-3.42765	2.16804
35707_at	AI057614		
T	BNT		
3177	1.65937	-3.00773	1.8236
36189_at	U10323	3608	Hs.75117
T	BNT		"インターロイキンエ
ンハンサー 結合因子2, 45kD"			
3178	2.21918	-5.04079	2.58071
32609_at	AI885852	8337	Hs.795
T	BNT		"H2Aヒストンファミ
リー, メンバー0"			
3179	2.30086	-4.88805	2.67283
1020_s_at	U85611	10519	Hs.10803
T	BNT	T	カルシウムおよび
インテグリン 結合タンパク質 (DNA依存性 プロテインキナーゼ相互作用タンパク質)			
3180	1.9046	-4.40478	2.22975
32157_at	S57501	5499	Hs.183994
T	BNT	T	"プロテインホスフ
ァターゼ1, 触媒性サブユニット, αアイソフォーム"			
3181	1.44747	-2.92597	1.67328
40671_g_at	AI148772	8942	Hs.1691
39 T	BNT		キヌレニナーゼ
(L-キヌレニンヒドロラーゼ)			
3182	2.15439	-4.6865	2.45202
41721_at	AA658877	3817	Hs.181350
T	BNT		"カリクレイン 2,
前立腺"			
3183	2.05722	-4.0275	2.34941
36700_at	AL035424	56062	Hs.49075
T	BNT		kelch様 4 (Drosop
hila)			
3184	2.07142	-4.87726	2.39283
31792_at	M20560	306	Hs.1378
T	BNT		アネキシンA3
3185	1.73291	-2.87312	1.94932
32055_g_at	AF048732	905	Hs.15547
8 T	BNT		サイクリン T2
3186	-2.79343	-0.750084	1.83896
34712_at	AB023227	23268	Hs.238
60 T	wT		KIAA1010タンパ
ク質			
3187	-2.49913	-0.791016	1.36477
40490_at	U41387	9188	Hs.169531
T	wT		DEAD/H (Asp-Glu-A
la-Asp/His) ボックスポリペプチド 21			
3188	-3.21212	-0.86294	1.91084

	40886_at	L41498	1916	
	T	wT		真核生物翻訳伸長因子1α 1様
14				
3189		-2.53885	-0.693434	1.54305
	40561_at	AA631074	51407	Hs.168
586	T	wT		NCXタンパク質
3190		-3.29532	-0.878111	2.06449
	41556_s_at	AF019386	9957	Hs.40
968	T	wT		ヘパラン硫酸(
	グルコサミン)3-0-スルホトランスフェラーゼ 1			
3191		-2.4345	-0.643113	1.53432
	40476_s_at	U58198	3607	Hs.29628
1	T	wT		インターロイキン
	エンハンサー 結合因子1			
3192		-2.7529	-0.803495	1.60366
	33449_at	AF054185	5688	Hs.23395
2	T	wT		"プロテアソーム(
	プロソーム, マクロペイン)サブユニット, α 型, 7"			
3193		-2.72755	-0.759669	1.65666
	31708_at	L05095	6156	Hs.334807
	T	wT		リボソームタンパ
	ク質 L30			
3194		-3.00307	-0.767738	1.78183
	41141_at	AL049970	5612	Hs.1775
74	T	wT		"タンパク質-キ
	ナーゼ, インターフェロン誘導性二本鎖RNA依存性インヒビター, リプレッサ (P58リプ			
	レッサ)"			
3195		-3.02884	-0.764817	1.77352
	36117_at	L13616	5747	Hs.740
	T	wT		PTK2タンパク質 チロ
	シンキナーゼ 2			
3196		-2.50866	-0.604247	1.54051
	34456_s_at	AB007296	2736	Hs.11
1867	T	wT		GLI-Kruppel フ
	ァミリーメンバーGLI2			
3197		-3.19511	-0.566399	2.27339
	40785_g_at	Z69030	5527	Hs.1717
34	T	wT	C	"プロテインホ
	スファターゼ2, 調節サブユニットB(B56), γ アイソフォーム"			
3198		-4.15596	-0.908854	2.5069
	37974_at	AL050178	10943	Hs.8876
4	T	wT		雄性特異的 致死
	性 3様 1(Drosophila)			
3199		-2.92821	-0.765994	1.52147
	38416_at	L27706	908	Hs.82916
	T	wT		"シャペロニン含有 T
	CP1,サブユニット 6A (ζ 1)"			
3200		-2.55708	-0.553146	1.57383
	39148_s_at	L34363	546	Hs.96264
	T	wT		"α サラセミア/精

神遅滞症候群 X連結(RAD54ホモログ, *S. cerevisiae*)"

3201	-3.3251	-0.617462	1.6725
160039_at	NM_002747	5596	Hs.2692
22	T	wT	マイトジェン活
性化プロテインキナーゼ4			
3202	-2.86816	-0.597889	1.29009
40407_at	U28386	3838	Hs.159557
T	wT	T	"カリオフィリン
α 2 (RAGコホート1, インポーチン α 1)"			
3203	-2.40381	-0.194178	1.61385
32511_at	AI498132		
T	wT		
3204	-2.46301	-0.115362	1.75424
40640_at	U62317	410	Hs.88251
T	wT		アリアルスルファタ
ーゼ A			
3205	-2.44324	-0.46801	1.04862
721_g_at	D87673	3299	Hs.75486
T	wT		ヒートショック 転写
因子4			
3206	-3.06837	-0.475187	1.53162
598_at	M60299	1280	Hs.81343
T	wT		"コラーゲン, I型I, α
1 (一次変形性関節症, 脊椎骨端異形成症, 先天性)"			
3207	-2.70416	-0.210526	1.72547
32534_f_at	AI814466	10791	Hs.7
4669	T	wT	小胞関連膜タ
ンパク質 5 (ミオブレビン)			
3208	-2.45938	-0.54558	1.38953
2036_s_at	M59040	960	Hs.169610
T	wT		CD44抗原 (ホーミン
グ機能およびIndian血液型系)			
3209	-2.86713	-0.671814	1.43395
40211_at	X12671	3178	Hs.249495
T	wT	C	異種核リボ核タン
パク質 A1			
3210	-2.50842	-0.432922	1.57243
38284_at	AJ007041	9757	Hs.9223
6	T	wT	KIAA0304遺伝子産
物			
3211	-3.38234	-0.748567	1.83863
39185_at	AF091083	56270	Hs.181
349	T	wT	仮想タンパク質
628			
3212	-2.79828	-0.52004	1.69823
39924_at	AB020660	23091	Hs.1361
02	T	wT	KIAA0853タンパ
ク質			
3213	-4.19683	-0.810922	2.30585
799_at	X80343	8851	Hs.93597

	T	wT		"サイクリン依存性キ
ナーゼ 5, 調節サブユニット1(p35)"				
3214	-3.0342	-0.560819	1.74939	
	39912_at	AB006179	9394	Hs.6363
	T	wT		ヘパラン硫酸6-0-ス
ルホトランスフェラーゼ				
3215	-2.65186	-0.560744	1.38313	
	932_i_at	L11672	7644	Hs.8597
	T	wT		"ジンクフィンガータ
ンパク質91(HPF7, HTF10)"				
3216	-2.89579	-0.507826	1.58418	
	209_at	M94167	3084	Hs.172816
	T	wT		ニューレグリン 1
3217	-2.82405	-0.452884	1.66684	
	35638_at	D43638	862	Hs.31551
	T	wT		"コア結合因子, runt
ドメイン, αサブユニット2;転座, 1; サイクリン D関連"				
3218	-3.41626	-1.11658	2.66491	
	40848_g_at	AB018293	9645	Hs.314
434	T	wT		KIAA0750遺伝子
産物				
3219	-2.58429	-0.786332	2.12749	
	35906_at	L29339	6523	Hs.1964
	T	wT		"溶質キャリアファミ
リー5 (ナトリウム/グルコース共輸送体),メンバー1"				
3220	-2.79853	-0.923871	2.1274	
	40382_at	V00571	1392	Hs.75294
	T	wT		コルチコトロピン放
出ホルモン				
3221	-2.41926	-1.0109	1.28106	
	37921_at	U61849	4884	Hs.84154
	T	wT		ニューロンpentraキ
シン I				
3222	-3.79594	-1.23675	2.82188	
	38789_at	L12711	7086	Hs.89643
	T	wT	T	トランスケトララーゼ
(Wernicke-Korsakoff症候群)				
3223	-2.78551	-0.946784	1.89058	
	32590_at	M60858	4691	Hs.79110
	T	wT	C	ヌクレオリン
3224	-2.74535	-0.890765	1.9936	
	1867_at	AF005775	8837	Hs.195175
	T	wT		CASP8およびFADD様
アポトーシス 調節因子				
3225	-3.32248	-0.990186	2.13572	
	908_at	M14660	3433	
	T	wT		テトラトリコペプチドリピー
ト 2を有するインターフェロン誘導タンパク質				
3226	-2.78563	-0.820847	2.10125	
	37695_at	D79983	9781	Hs.78894

3227	T	wT		KIAA0161遺伝子産物 2.1566
	40122_at	AF037448	10492	Hs.46801
	T	wT		NS1関連タンパク質
1				
3228				1.7884
	36247_f_at	M12272	126	Hs.2523
	T	wT		"アルコールデヒドロ
	ゲナーゼ 1C (クラスI), γ ポリペプチド"			
3229				1.62582
	36597_at	D21262	9221	Hs.75337
	T	wT		核小体およびコイル
	ド体リンタンパク質1			
3230				2.02112
	37731_at	Z29064	2060	Hs.79095
	T	wT		表皮成長因子レセプ
	ター経路基質 15			
3231				2.13601
	40836_s_at	W26677	3189	Hs.27968
1	T	wT	C	異種核リボ核タ
	ンパク質 H3(2H9)			
3232				2.08044
	877_at	M27691	1385	Hs.79194
	T	wT		cAMP 応答性エレメン
	ト結合タンパク質1			
3233				1.81547
	2026_at	M83215	861	Hs.129914
	T	wT		runt関連転写因子1 (
	急性骨髄性白血病1; aml1オンコジーン)			
3234				1.81308
	40827_at	U04953	3376	Hs.172801
	T	wT	T	イソロイシン-tRN
	Aシンテターゼ			
3235				2.12051
	32546_at	U59309	2271	Hs.75653
	T	wT		フマル酸ヒドラター
	ゼ			
3236				1.93685
	32789_at	AA149428	22916	Hs.2407
70	T	wT		"核キャップ結合
	タンパク質サブユニット 2, 20kD"			
3237				1.77969
	1399_at	L34587	6921	Hs.184693
	T	wT		"転写伸長因子B (SIII
	) , ポリペプチド 1(15kD, エロジン C)"			
3238				2.66153
	39547_at	AB008515	10048	Hs.2798
86	T	wT		RAN結合タンパ
	ク質9			
3239				2.18931

36091_at	AF051323	8935	Hs.52644
T	wT		srcファミリー関連
リンタンパク質 2			
3240	-2.8499	-1.28147	2.38662
34160_at	X04098	71	Hs.14376
T	wT		"アクチン, γ 1"
3241	-2.41319	-1.16632	1.67838
36098_at	M72709	6426	Hs.73737
T	wT		"スプライシング因子
, アルギニン/セリンリッチ1 (スプライシング因子 2, 代替スプライシング因子)"			
3242	-2.79466	-1.26106	1.96026
2035_s_at	M55914	2023	Hs.254105
T	wT		"エノラーゼ 1, (
α)"			
3243	-3.88515	-1.75757	2.90133
35814_at	AF064603	10480	Hs.6946
9 T	wT		樹状細胞タンパク
質			
3244	-2.67684	-1.04463	2.52935
1860_at	U58334	7159	Hs.44585
T	wT		"腫瘍タンパク質 p53
結合タンパク質, 2"			
3245	-3.27394	0.320584	0.341045
33150_at	AI126004	57050	Hs.322
901 T	wT		サイレンシング
10の崩壊因子			
3246	-3.04042	0.680118	0.771368
41340_at	AA827795	8482	Hs.2464
0 T	wT		"セマドメイン,
免疫グロブリンドメイン(Ig), およびGPI膜アンカー, (セマホリン) 7A"			
3247	-2.99385	0.593162	0.84862
1422_g_at	D30742	814	Hs.348
T	wT		カルシウム/カルモジュ
リン依存性 プロテインキナーゼIV			
3248	-2.45157	0.469308	0.683867
39308_r_at	X81637		
T	wT		
3249	-2.51662	0.169226	0.346968
41239_r_at	M90696	1520	Hs.1813
01 T	wT		カテプシンS
3250	-2.51043	0.599076	0.796691
542_at	S74445	1381	Hs.346950
T	wT		細胞レチノイン酸 結
合タンパク質1			
3251	-2.44825	0.592958	0.727154
733_at	M57417		
T	wT		
3252	-2.41782	0.269492	0.384001
606_at	L78833	672	Hs.194143
T	wT	T	"乳癌 1, 早発性"

3253	-2.85217	0.575169	0.772587
38524_at	U49184	4950	Hs.171952
T	wT		オクルディン
3254	-2.4799	0.368861	0.525395
35846_at	M24899	7067	Hs.724
T	wT		"甲状腺ホルモンレセプター, α (赤芽球性白血病 ウイルス (v-erb-a) オンコジーンホモログ, トリ)"
3255	-3.72668	0.511469	0.732363
34508_r_at	AI971726	22853	Hs.1
22708	T	wT	KIAA1079タン
パク質			
3256	-2.83814	0.344273	0.513591
731_f_at	M55405	4584	Hs.349106
T	wT		"ムチン 3A, 腸"
3257	-2.63566	0.329474	0.652833
32117_at	U51698	26574	Hs.16178
T	wT		アポトーシス 拮抗
転写因子			
3258	-2.50935	0.294796	0.623579
34866_at	AF055029		
T	wT		
3259	-2.64982	0.413403	0.672695
37685_at	U45976	8301	Hs.7885
T	wT		ホスファチジルイノ
シトール 結合クラスリン 組立タンパク質			
3260	-2.43134	0.253725	0.478642
37175_at	L00190	462	Hs.75599
T	wT		"セリン (またはシステイン) プロテイナーゼインヒビター, クレド C (抗トロンビン), メンバー1"
3261	-2.74756	0.69314	1.00282
415_at	X59656	1399	Hs.37078
T	wT		v-crk 肉腫ウイルスCT10
オンコジーンホモログ (トリ) 様			
3262	-2.72411	0.403206	0.697228
35672_at	AL080144	25909	Hs.333
63	T	wT	DKFZP434N093タ
ンパク質			
3263	-2.42958	0.302781	0.566992
674_g_at	J04031	4522	Hs.172665
T	wT		"メチレンテトラヒドロ葉酸デヒドロゲナーゼ (NADP+依存性), メテニルテトラヒドロ葉酸シクロヒドロラーゼ, ホルミルテトラヒドロ葉酸シンテターゼ"
3264	-3.06424	0.751082	0.172844
479_at	U53446	1601	Hs.81988
T	wT		"障害性ホモログ 2,
マイトジェン応答性リンタンパク質 (Drosophila)"			
3265	-2.77565	1.21119	0.616372
38431_at	U09759	5601	Hs.246857
T	wT		マイトジェン活性化
プロテインキナーゼ9			

3266	-2.44438	0.607085	0.266279
32362_r_at	D87012	8940	Hs.1946
85	T	wT	トポイソメラー
ゼ (DNA) III β			
3267	-2.43956	0.842273	0.431726
790_at	X52599	4803	Hs.2561
T	wT		"神経成長因子, β ポリ
ペプチド"			
3268	-2.64858	0.714897	0.452407
1060_g_at	S76475	4916	Hs.26776
T	wT		"神経栄養性チロ
シンキナーゼ, レセプター, 型3"			
3269	-3.26606	0.957319	0.622006
36180_s_at	X75346	9261	Hs.7507
4	T	wT	マイトジェン活性
化プロテインキナーゼ活性化	プロテインキナーゼ2		
3270	-2.4869	0.584976	0.341481
39028_at	Y08890	3843	Hs.113503
T	wT		カリオフィリン (イ
ンポーチン) β 3			
3271	-3.00842	0.84627	0.466572
653_at	L07540	5985	Hs.171075
T	wT		複製因子C (活性化因
子 1) 5(36.5kD)			
3272	-2.9817	0.673849	0.345641
1154_at	J02645	1965	Hs.151777
T	wT		"真核生物翻訳開始因
子2, サブユニット1 (α , 35kD)"			
3273	-2.69196	0.468173	0.399868
1366_i_at	M26880	7316	Hs.18370
4	T	wT	ユビキチン C
3274	-2.59258	0.519886	0.319418
40888_f_at	W28170	1915	Hs.1811
65	T	wT	真核生物翻訳伸
長因子1 α 1			
3275	-2.57613	0.808516	0.603521
742_at	D49742	3026	Hs.241363
T	wT		ヒアルロナン 結合タ
ンパク質2			
3276	-3.35091	0.535133	0.401664
32393_s_at	W27466	9987	Hs.1703
11	T	wT	C 異種核リボ核タ
ンパク質 D様			
3277	-2.48721	0.46872	0.331078
37887_at	AF086904	11200	Hs.1463
29	T	wT	CHK2チェックポ
イントホモログ(S. pombe)			
3278	-2.46274	0.526769	0.392635
1612_s_at	X56681	3727	Hs.2780
T	wT		jun D プロトオンコ

ジーン					
3279	-3.12618	0.544846	0.382707		
	37659_at	L42572	10989	Hs.78504	
	T	wT		"内膜タンパク質,	
	ミトコンドリア (マイトフィリン)"				
3280	-2.48155	0.448136	0.320788		
	732_f_at	M55406	4584	Hs.349106	
	T	wT		"ムチン 3A, 腸"	
3281	-2.9959	0.183554	0.836661		
	34710_r_at	AI633189			
	T	wT			
3282	-2.5092	0.0516049	0.582196		
	874_at	M26683	6347	Hs.303649	
	T	wT		小型誘導性サイトカ	
	イン A2 (単球走化性タンパク質1)				
3283	-3.78784	0.139174	1.01373		
	37724_at	V00568	4609	Hs.79070	
	T	wT	T	v-myc 骨髄球腫症ウ	
	イルスオンコジーンホモログ (トリ)				
3284	-2.40263	0.302441	0.884581		
	258_at	M16441	4049	Hs.36	
	T	wT		"リンホトキシン α (TNF	
	スーパーファミリー, メンバー1)"				
3285	-3.38442	0.293231	0.828445		
	1973_s_at	V00568	4609	Hs.79070	
	T	wT	T	v-myc m骨髄球腫	
	症ウイルスオンコジーンホモログ (トリ)				
3286	-2.6511	0.306338	0.811103		
	35815_at	AL049470	29072	Hs.6947	
	T	wT		ハンチンチン相互	
	作用タンパク質B				
3287	-3.32851	0.401888	1.06943		
	41838_at	X99270	55559		
	T	wT		"Xq28, 2000bp 配列 contg.	
	ORF"				
3288	-2.58555	0.0959075	0.578228		
	35746_r_at	X78136	5094	Hs.635	
25	T	wT		ポリ(rC) 結合タ	
	ンパク質2				
3289	-2.9462	-0.0928524	0.815471		
	38110_at	AF000652	6386	Hs.818	
0	T	wT		シンデカン 結合	
	タンパク質(シンテシン)				
3290	-2.49245	0.248381	1.16502		
	32948_at	AF055580	7399	Hs.23207	
2	T	wT		"Usher症候群 2A	
	(常染色体劣性, 軽度)"				
3291	-2.65317	-0.00553703	0.791767		
	34822_at	U58334	7159	Hs.445	
85	T	wT		"腫瘍タンパク質	

p53結合タンパク質, 2"				
3292	-3.25545	0.214249	1.22813	
1043_s_at	U27516	5893	Hs.89571	
T	wT		RAD52ホモログ (S.	
cerevisiae)				
3293	-2.44118	0.369517	1.18495	
38844_at	L42451	5164	Hs.92261	
T	wT		"ピルビン酸デヒドロ	
ゲナーゼキナーゼ, アイソザイム 2"				
3294	-3.13082	0.225473	1.17465	
151_s_at	V00599	2280	Hs.179661	
T	wT	T	FK506 結合タンパ	
ク質1A(12kD)				
3295	-2.80448	-0.0782904	0.686735	
41447_at	AB023207	22856	Hs.1	
10488	T	wT	炭水化物 (コ	
ンドロイチン)シンターゼ1				
3296	-3.98264	0.13114	1.15252	
37857_at	AL080188	92211	Hs.13755	
6	T	wT	MT-プロトカドヘ	
リン				
3297	-2.77478	0.372217	1.12859	
40744_at	U12134	5893	Hs.89571	
T	wT		RAD52ホモログ (S. c	
erevisiae)				
3298	-3.50226	0.184531	1.17126	
253_g_at	L42324	2841	Hs.88269	
T	wT		Gタンパク質結合型レ	
セプター-18				
3299	-3.35339	0.1727	1.07316	
AFFX-HUMISGF3A/M97935_5_at	M97935	6772		
Hs.21486	T	wT	"シ	
グナルトランスデューサーおよび転写の活性化因子 1, 91kD"				
3300	-3.06223	0.219311	1.06833	
40772_at	AA284298	84179	Hs.3347	
89	T	wT	仮想タンパク質F	
LJ22269				
3301	-2.52904	-0.182575	1.26067	
1899_s_at	L33262	5893	Hs.89571	
T	wT		RAD52ホモログ (S.	
cerevisiae)				
3302	-3.42464	-0.230701	1.67836	
359_at	Y10659	3597	Hs.285115	
T	wT		"インターロイキン13	
レセプター, α1"				
3303	-3.2759	-0.208984	1.62194	
1599_at	L25876	1033	Hs.84113	
T	wT		サイクリン依存性キナ	
ーゼインヒビター3 (CDK2関連二重特異性ホスファターゼ)				
3304	-3.421	-0.403395	1.79454	

	1322_at	U47677	1869	Hs.96055
	T	wT		E2F転写因子1
3305		-3.36003	-0.439924	1.6785
	41327_at	AA887477	24139	Hs.2417
8	T	wT		微小管関連タンパ
	ク質 like 棘皮動物EMAP			
3306		-2.4499	-0.226659	1.32245
	41489_at	M99435	7088	Hs.28935
	T	wT		"スプリット1のトラ
	ンスデューシン様エンハンサー (E(sp1)ホモログ, Drosophila)"			
3307		-3.02123	-0.56597	1.10241
	38234_at	M99438	7090	Hs.287362
	T	wT		"スプリット3のトラ
	ンスデューシン様エンハンサー (E(sp1)ホモログ, Drosophila)"			
3308		-2.41234	-0.272171	1.17297
	1210_s_at	U83600		
	T	wT		
3309		-3.00963	-0.474715	1.1998
	32094_at	AB017915	9469	Hs.15830
4	T	wT		炭水化物 (コンド
	ロイチン 6/ケラタン)スルホトランスフェラーゼ3			
3310		-2.74484	0.0223974	1.86711
	40847_at	AB018293	9645	Hs.3144
34	T	wT		KIAA0750遺伝子
	産物			
3311		-2.52878	-0.32529	0.868381
	892_at	M90657	4071	Hs.351316
	T	wT		膜貫通 4スーパーフ
	ァミリー メンバー1			
3312		-2.49097	-0.0723087	1.11099
	40906_at	AC002310	3683	Hs.174
103	T	wT		"インテグリン,
	α L (抗原CD11A (p180), リンパ球機能関連抗原 1; αポリペプチド)"			
3313		-2.41739	-0.138884	0.952973
	34322_r_at	D87120	10447	Hs.29
882	T	wT		推定骨芽細胞タ
	ンパク質			
3314		-2.46323	-0.343344	0.712225
	41531_at	AI445461	4071	Hs.351
316	T	wT		膜貫通 4スーパ
	ーファミリー メンバー1			
3315		-2.70777	-0.22739	1.01883
	1856_at	X75042	5966	Hs.44313
	T	wT		v-rel 細網内皮症ウイ
	ルスオンコジーンホモログ (トリ)			
3316		-2.41459	-0.019483	1.18225
	1032_at	U11872		
	T	wT		
3317		-2.46	-0.0150136	1.23837
	33718_at	AC006128	58525	Hs.19306

5	T	wT		仮想タンパク質DK
FZp547M136	広く空間の空いたジンクフィンガーモチーフに類似			
3318	-3.4625	-0.0852607	1.64931	
	33575_at	U56102	10666	Hs.57699
	T	wT		接着糖タンパク質
3319	-2.85591	0.0271742	1.50913	
	1760_s_at	D11327	5778	Hs.35
	T	wT		"タンパク質チロシン
ホスファターゼ, 非レセプター型7"				
3320	-2.81585	-0.0907469	1.32546	
	39122_at	K03515	2821	Hs.27978
9	T	wT		グルコースホスフ
エート イソメラーゼ				
3321	-3.15886	-0.404753	1.03558	
	1916_s_at	V01512	2353	Hs.25647
	T	wT		v-fos FBJ マウス
骨肉腫ウイルスオンコジーンホモログ				
3322	-2.72206	-0.284879	0.987962	
	35745_f_at	X78136	5094	Hs.635
25	T	wT		ポリ(rC) 結合タ
ンパク質2				
3323	-2.98801	-0.118294	1.19239	
	33852_at	M77142	7072	Hs.239489
	T	wT		TIA1 細胞傷害性顆
粒関連 RNA結合タンパク質				
3324	-2.42149	-0.0202984	1.0696	
	38097_at	AF010313	9538	Hs.3439
11	T	wT		エトポシド誘導
性 mRNA				
3325	-4.21849	-0.187792	1.55932	
	41485_at	X02152	3939	Hs.2795
	T	wT		乳酸デヒドロゲナー
ゼ A				
3326	-3.52752	0.120761	1.71759	
	1238_at	U09759	5601	Hs.246857
	T	wT		マイトジェン活性化
プロテインキナーゼ9				
3327	-2.48095	-0.226271	0.761675	
	36042_at	X75958	4915	Hs.47860
	T	wT		"神経栄養性 チロ
シンキナーゼ, レセプター, 型2"				
3328	-2.74094	0.0539451	1.20892	
	1360_at	U40622	7518	Hs.150930
	T	wT		チャイニーズハム
スター細胞4におけるX線修復補完欠損修復				
3329	-2.45955	-0.110953	0.867465	
	35818_at	D00265	54205	Hs.1692
48	T	wT		シトクロムc
3330	-2.43362	0.0973968	1.03575	
	39455_r_at	AJ002607	3196	Hs.24

1577	T	wT		ホメオボックス
ス 11様 1				
3331	-2.59243	-0.161884	0.761853	
34615_at		D78367	3859	Hs.66739
T		wT		ケラチン 12 (Mees
mann角膜ジストロフィー)				
3332	-2.54995	-0.184322	0.736021	
789_at		X52541	1958	Hs.326035
T		wT		初期成長応答 1
3333	-2.53675	-0.0177875	0.952288	
39535_at		M99587	3166	Hs.1041
34	T	wT		ホメオボックス
(H6ファミリー) 1				
3334	-3.29056	0.134021	1.51538	
32698_at		X64116	5817	Hs.171844
T		wT		ポリオウイルスレセ
プター				
3335	-2.64042	0.323501	1.48823	
33098_at		U28694	1232	Hs.158324
T		wT		ケモカイン(C-Cモチ
ーフ)レセプター3				
3336	-2.43647	0.0181008	0.988679	
391_at		X89416	5536	Hs.75180
		wS		"プロテインホスファ
ターゼ5, 触媒性サブユニット"				
3337	-2.7058	1.91998	-0.597293	
39526_at		AA648931	57218	Hs.1026
57		wS	T	KIAA1155タンパ
ク質				
3338	-2.85965	2.54778	-0.569936	
33979_at		X55990	6037	Hs.73839
		wS		"リボヌクレアーゼ,
RNase Aファミリー, 3(好酸球		カチオン性タンパク質)"		
3339	-2.96029	2.42857	-0.658506	
31317_r_at		M21388		
		wS		
3340	-2.67337	1.92102	-0.719372	
38125_at		M14083	5054	Hs.82085
		wS		"セリン (またはシス
テイン)プロテイナーゼインヒビター,クレード E (ネキシシ, プラスミノーゲン活性化				
因子インヒビター型1), メンバー1"				
3341	-2.61113	2.11055	-0.653048	
2060_at		M13995	596	Hs.79241
		wS	C	B細胞 CLL/リンパ腫2
3342	-2.46367	2.11607	-0.594949	
36834_at		AL080058	26002	Hs.690
9		wS		DKFZP564G202タン
パク質				
3343	-1.79004	2.40428	-0.916497	
33239_at		W28100		

	wS			
3344	-2.91246	3.01849	-1.57093	
39760_at	AL031781	9444	Hs.15020	
	wS		マウス クエーキング	
QKIのホモログ(KHドメイン RNA結合タンパク質)				
3345	-2.87306	2.73462	-1.55571	
31719_at	X02761	2335	Hs.287820	
	wS		フィブロネクチン 1	
3346	-2.57512	2.58914	-1.32283	
288_s_at	L25931	3930	Hs.152931	
	wS		ラミン Bレセプター	
3347	-1.87272	2.48572	-0.818865	
32226_at	M64571	4134	Hs.239298	
	wS		微小管関連タンパク	
質 4				
3348	-3.06147	2.88075	-0.883723	
1557_at	U24152	5058	Hs.62402	
	wS	C	"p21/Cdc42/Rac1活性	
化dキナーゼ 1(STE20ホモログ, 酵母)"				
3349	-2.79893	2.46514	-0.994629	
268_at	L34657	5175	Hs.78146	
	wS		血小板/内皮細胞接着分	
子 (CD31抗原)				
3350	-2.8734	3.05504	-1.21455	
39940_at	AL080094			
	wS			
3351	-2.2447	2.49273	-0.951557	
33935_at	AL035305	27101	Hs.2725	
8	wS	C	Siach相互作用タン	
パク質				
3352	-2.40293	1.90854	-1.10392	
33867_s_at	X77494	5937	Hs.24156	
7	wS	C	"RNA結合モチーフ	
, 一本鎖相互作用タンパク質1"				
3353	-2.78188	2.84349	-0.99858	
38882_r_at	AF096870	10626	Hs.24	
1305	wS		3部のモチーフ	
含有16				
3354	-2.46813	1.97079	-1.03998	
38750_at	U97669	4854	Hs.8546	
	wS		Notchホモログ 3 (Dros	
ophila)				
3355	-2.71716	1.01996	-0.0981398	
40968_at	AB004904	9021	Hs.345	
728	wS		STAT誘導STATイ	
ンヒビター 3				
3356	-2.48428	1.25356	0.150278	
1246_at	U35234	5802	Hs.159534	
	wS		"タンパク質チロシン	
ホスファターゼ, レセプター型, S"				

3357	-2.78908	1.15074	0.0273819
38581_at	U40038	2776	Hs.356786
	wS		"グアニンヌクレオ
チド結合タンパク質(Gタンパク質),q ポリペプチド"			
3358	-2.45566	1.11837	0.0798968
34099_f_at	W26056	4673	Hs.3026
49	wS		ヌクレオソーム組
立タンパク質 1様1			
3359	-3.09626	1.2027	0.322936
38077_at	X52022	1293	Hs.80988
	wS	C	"コラーゲン,型 VI, α
3"			
3360	-2.62616	0.806234	0.123871
41483_s_at	X56681	3727	Hs.2780
	wS		junDプロトオンコ
ジーン			
3361	-3.5568	1.11773	0.274325
34658_at	U15422	5619	Hs.2909
	wS		プロタミン 1
3362	-3.26343	1.06298	0.238431
41373_s_at	W27148	4131	Hs.10304
2	wS	C	微小管関連タンパ
ク質 1B			
3363	-2.44914	0.81441	0.190601
32941_at	M91196	3394	Hs.14453
	wS		インターフェロンコン
センサス配列結合タンパク質1			
3364	-2.88344	0.918573	0.0751957
36879_at	M63193	1890	Hs.73946
	wS		内皮細胞成長因子1
(血小板由来)			
3365	-3.12764	1.38573	0.266853
32132_at	AL046649	9666	Hs.16566
2	wS		KIAA0675遺伝子産
物			
3366	-2.95613	1.24564	0.247753
39878_at	AI524125	5101	Hs.12450
	wS		プロトカドヘリン 9
3367	-3.28265	1.4321	-0.359734
277_at	L08246	4170	Hs.86386
	wS		骨髄性細胞白血病配列 1
(BCL2関連)			
3368	-3.20611	1.87595	-0.0748342
243_g_at	M64571	4134	Hs.23929
8	wS		微小管関連タンパ
ク質 4			
3369	-2.7445	1.53476	-0.0258811
41079_at	AB010575	9311	Hs.9854
7	wS		"アミロイド感受性
カチオンチャネル3, 精巣"			

3370	-2.68664	1.45427	-0.0903343
37370_i_at	L41066	4776	Hs.778
10	wS		"活性化T細胞核因
子,細胞質,カルシニューリン依存性4"			
3371	-3.21839	1.40157	-0.455405
33146_at	L08246	4170	Hs.86386
	wS		骨髓性細胞白血病配
列 1 (BCL2関連)			
3372	-2.92717	1.54349	-0.223798
40506_s_at	U75686	8761	Hs.1699
00	wS	T	"ポリ(A)結合タ
ンパク質,細胞質4(誘導性形態)"			
3373	-2.96595	1.56985	-0.3596
37863_at	J04076	1959	Hs.1395
	wS		"初期成長応答 2 (Krox-
20ホモログ,Drosophila)"			
3374	-3.28434	1.90687	-0.237121
37015_at	K03000	216	Hs.76392
	wS		"アルデヒドデヒドロ
ゲナーゼ1ファミリー,メンバーA1"			
3375	-3.25485	1.50411	-0.469379
36140_at	J03827	4904	Hs.74497
	wS		ヌクレアーゼ感受性
エレメント結合タンパク質1			
3376	-3.14074	1.96677	-0.580952
41285_at	X77567	3632	Hs.124029
	wS	C	"イノシトールポリ
ホスフェート-5-ホスファターゼ,40kD"			
3377	-2.40934	1.45045	-0.494961
41538_r_at	AI937054	2905	Hs.36
451	wS		"グルタミン酸レ
セプター,イオンチャネル型,N-メチルD-アスパラギン酸 2C"			
3378	-2.7059	1.90674	-0.441823
40531_at	X71135	6658	Hs.157429
	wS		SRY (性決定領域Y)ポ
ックス 3			
3379	-2.53548	1.43839	-0.584415
40448_at	M92843	7538	Hs.343586
	wS		"ジンクフィンガー
タンパク質36,C3H型,ホモログ(マウス)"			
3380	-2.89998	1.82531	-0.348359
39410_at	AB007860	8853	Hs.1280
2	wS		発達および分化増
強因子 2			
3381	-3.05151	1.42217	-0.580589
37688_f_at	M31932	2212	Hs.7886
4	wS		"IgGのFcフラグメ
ント,低親和性IIa,(CD32)に対するレセプター"			
3382	-2.76395	1.62263	-0.355808
38126_at	J04599	633	Hs.821

3383

33489_at

-2.4098

ws

U47292

1.26445

7032

Hs.2979

ws

ビグリカン

-0.389366

三葉型因子 2 (鎮痙タ

ンパク質 1)

【 0 2 8 9 】

【表 3】

表 3

4名の病理学者の一致解析の概要
126 サンプルスライド
363 レーティンゲ
平均ピアソン相関係数:

腫瘍上皮細胞
BPH 上皮細胞
間質ー全ての細胞
膨張嚢腺
上皮細胞

0.92
0.73
0.77
0.49

【 0 2 9 0 】

【表 4】

表 4. 公知の細胞組成物での前立腺癌の場合の概要およびAffymetrix GeneChips によって解析した臨床フォローアップ

セット	患者	マイクロチップ	腫瘍を有するサンプル	腫瘍を有さないサンプル	再発腫瘍サンプル	非再発腫瘍サンプル	U95/U133 の両方で解析した患者	U95/U133 の両方で解析した RNA 抽出物
U95Av2 実施例 1 最近		88	38	50				
U95Av2 に 特有		30 64 110 118						
U133A でも 行った ²			50	68	13	35	34	54
合計								
U133A U95 でも 行った ²	57 91	146 93 146	74	52	28	46		
合計								

1. 7/04 の時点で、再発腫瘍サンプルおよび非再発腫瘍サンプルを意味する
2. U95Av2 GeneChips を用いる、実施例 1 の方法に従って得られた、細胞一特異的遺伝子の比較のために、U95Av2 プラットフォーム上で解析した 110 患者を、U133A プラットフォーム上で解析した 93 名の独立した患者と比較した。4 細胞型に対する T-統計値を、項目 5 で記述したように、決定し、比較した。

【表 5】

表 5: U95A GeneChip 発現データ (実施例 1) を用いて決定したような、細胞一型特異的遺伝子発現および追加サンプル、および U113A GeneChip 発現データによる、一致解析

細胞型	可能性を含む、U95対U113に対するピアソン相関係数	
	t-統計値 > 2.4	t-統計値カット オフなし
腫瘍上皮細胞	0.827	0.51
	p < 2.23e**-16	p < 2.2e**-16
BPH 上皮細胞	0.723	0.366
	p < 2.2e**-16	p < 2.2e**-16
間質細胞	0.937	0.734
	p < 2.2e**-16	p < 2.2e**-16
膨張嚢腺上皮細胞	0.750	0.323
	p < 7.4e**-13	p < 2.2e**-16

【 0 2 9 2 】

【表 6】

表 6. 146 の U133A GeneChips の解析に基づく、細胞一型によって、早期再発前立腺癌にて、有意に異なって発現している、1098 のプローブセットの同定。疑似発見率は、丸括弧内でしめす。

サンプル	
2 年以内に再発	28
非再発腫瘍 (2 ~ 3 年)	46
コントロール：再発の場合からの組織	46
コントロール：非再発の場合からの組織	26
合計	146

結果

再発腫瘍対非再発腫瘍の腫瘍細胞

394 遺伝子発現における有意な差

110 (0.22) 発現の増加

284 (0.19) 発現の減少

再発腫瘍対非再発腫瘍の間質細胞

704 有意な差

78 (0.22) 発現の増加

626 (0.06) 発現の減少

BPH 細胞 - 有意な差はない

【0293】

【表 7】

表 7

データセット	II. 分類成功 %
146 U133A アレイ	67.75% の再発および非再発の場合の相関
	80% の再発の場合の相関
プローブセット U133A および U95 に共通	69.89%

(表 8)

プローブ id BPH T stat 腫瘍 Tstat 間質 T stat 嚢胞
性萎縮 Tstat 良性 T>2.5 腫瘍 T > 2.5 間質 T > 2.5 嚢胞性 T >2.5 >2 層発現
相違

208308_s_at -1.95	-1.15	T	3.15	S	2.55
201881_s_at -1.97	-0.43	T	2.63	S	2.67
208622_s_at -2.05	-0.59	T	2.55	S	3.03
217808_s_at -2.08	-0.57	T	2.55	S	3.16
208628_s_at -2.11	-1.39	T	2.6	S	4.24
204042_at -2.26	-1.07	T	3.63	S	2.8
212807_s_at -2.26	0.48	T	2.56	S	2.53
219675_s_at -2.28	-0.4	T	2.57	S	3.26
211593_s_at -2.45	-0.13	T	2.85	S	2.96
203013_at -2.54	0.66	T	2.93	S	2.65
211797_s_at -2.64	0.91	T	2.62	S	2.75
207821_s_at -2.7	0.96	T	3.08	S	2.67
211150_s_at -2.73	0.91	T	3.22	S	2.77
202142_at -2.76	0.88	T	2.82	S	2.6
219446_at -2.78	0.44	T	2.9	S	3.03
220633_s_at -2.85	0.95	T	2.5	S	3.35
210802_s_at -2.87	1.1	T	2.88	S	2.67

210519_s_at -2.87	1.26	T	3.14	S	2.5
212333_at -2.89	0.31	T	3.08	S	3.23
201364_s_at -2.89	1.08	T	2.62	S	2.76
202899_s_at -2.91	0.88	T	2.88	S	2.8
212325_at -2.91	1.61	T	2.83	S	2.51
205412_at -2.96	1.01	T	3.31	S	2.66
209041_s_at -2.97	1.47	T	2.75	S	3.06
208621_s_at -2.98	1.32	T	2.96	S	2.79
217741_s_at -3.08	-0.18	T	3.04	S	4.11
210449_x_at -3.09	0.84	T	2.76	S	3.55
205127_at -3.14	1.09	T	2.58	S	3.3
208879_x_at -3.15	2.15	T	2.75	S	2.83
215813_s_at -3.2	0.71	T	2.54	S	3.48
201992_s_at -3.22	0.97	T	3.17	S	3.61
205128_x_at -3.22	0.43	T	2.57	S	3.56
213887_s_at -3.23	1.69	T	2.56	S	3.23
201179_s_at	1.11		3.25		2.54

-3.23		T		S	
206113_s_at	1.32		3.64		3.01
-3.28		T		S	
203449_s_at	1		2.83		3.8
3.3		T		S	-
202143_s_at	1.29		2.79		3.24
-3.35		T		S	
200720_s_at	1.68		2.57		4.23
-3.47		T		S	
206459_s_at	0.79		3.33		3.65
-3.48		T		S	
212986_s_at	1.8		2.75		4.08
-3.51		T		S	
200756_x_at	1.16		4.3		2.89
-3.54		T		S	
218292_s_at	1.98		2.51		3.59
-3.55		T		S	
213617_s_at	1.68		3.4		3.18
-3.55		T		S	
216976_s_at	1.62		2.83		3.58
-3.57		T		S	
200641_s_at	1.52		3.99		3.29
-3.68		T		S	
208708_x_at	2.34		2.66		3.07
-3.71		T		S	
200757_s_at	2.32		3.65		3.42
-3.73		T		S	
206375_s_at	0.49		2.52		5.26
-3.95		T		S	
205364_at	2.62		-1.49		2.95
-1.99	B			S	
218373_at	2.58		0.19		3.13
-2.74	B			S	
205608_s_at	2.67		-1.08		3.31

-2.75	B		S	
203016_s_at		2.73		1.24
-2.78	B		S	2.67
205657_at		2.54		0.95
-2.88	B		S	2.61
213749_at		2.72		1.17
-2.92	B		S	2.89
202458_at		2.5		1.37
-3.2	B		S	3.12
208670_s_at		2.57		1.34
-3.42	B		S	3.48
212667_at		2.92		1.02
-3.92	B		S	5.5
S				
201444_s_at		3.1		2.25
-3.97	B		S	2.81
201605_x_at		-2.28		-4.04
1.56			S	2.51
S				
201497_x_at		-1.61		-4.87
1.33			S	3.3
S				
201042_at		-3.78		-0.68
0.76			S	2.52
S				
221748_s_at		-2.56		-3.64
0.65			S	3.67
S				
212203_x_at		-1.32		-2.82
0.65			S	2.81
S				
212130_x_at		-2.6		-1.82
0.57			S	3.11
200878_at		-1.53		-3.18
0.56			S	2.52
S				
202180_s_at		-1.99		-1.86
0.53			S	2.77
S				
203140_at		-2.76		-1.24
0.49			S	2.74
S				

210762_s_at	-3.49	-1.5	3.57	
0.48				S
S				
210986_s_at	-1.14	-4.67	3.17	
0.47				S
200801_x_at	-3.18	-2.78	4.66	
0.45				S
202274_at	-0.73	-5.45	3.67	
0.44				S
S				
201667_at	-0.11	-5.2	2.67	
0.43				S
213867_x_at	-2.68	-2.8	3.85	
0.42				S
212227_x_at	-2.55	-1.41	4.06	
0.29				S
201161_s_at	-2.44	-0.6	2.93	
0.27				S
211974_x_at	-0.7	-2.71	2.73	
0.24				S
AFFX-HSAC07/X00351_3_at		-2.62	-2.95	3.
88	0.2			S
205870_at	-2.41	-0.99	3.16	
0.08				S
S				
202499_s_at	-2.56	-0.28	2.69	
0.06				S
S				
219025_at	-1.23	-2.33	3.03	
0.008352022				S
S				
38671_at	-1.74	-2.01	3.05	
0.00834564				S
S				
212400_at	-1.58	-0.66	2.51	
0.003917552				S
203756_at	-1.18	-2.62	2.96	
-0.004684272				S
202401_s_at	-2.3	-1.25	3.38	
-0.01				S

S				
208636_at	-1.82	-2.86		3.12
-0.01			S	
S				
209286_at	-1.75	-2.31		3.1
-0.02			S	
S				
213154_s_at	-1.66	-1.63		2.5
-0.04			S	
S				
203411_s_at	-1.63	-1.58		3.49
-0.05			S	
S				
200600_at	-2.42	-1.77		3.06
-0.07			S	
S				
212136_at	-2.09	-1.92		2.57
-0.07			S	
S				
203233_at	-2.45	-1.25		2.6
-0.08			S	
S				
203068_at	-2.17	-1.23		2.6
-0.1			S	
S				
222162_s_at	-2.73	-1.95		4.18
-0.11			S	
S				
203320_at	-1.36	-1.51		2.71
-0.11			S	
202646_s_at	-1.58	-0.95		2.57
-0.12			S	
201289_at	-1.31	-1.62		2.81
-0.13			S	
S				
202555_s_at	0.02	-5.24		3.37
-0.14			S	
S				
221246_x_at	-1.39	-1.98		2.82
-0.15			S	
S				
201136_at	-0.32	-2.78		2.59
-0.15			S	
S				
212067_s_at	-1.91	-2.27		4.14
-0.16			S	
S				
200974_at	-0.68	-4.67		4.61

-0.17			S	
205011_at	-0.43	-2.23		2.51
-0.17			S	
204463_s_at	-0.71	-1.85		2.52
-0.18			S	
S				
200904_at	-0.03	-2.87		3.32
-0.2			S	
222088_s_at	-2.25	0.1		2.74
-0.2			S	
212235_at	-2.13	-0.52		2.84
-0.22			S	
1294_at	0.37	-3.26		2.76
-0.23			S	
202637_s_at	-1.72	0.09		2.61
-0.24			S	
213620_s_at	-0.75	-1.93		2.53
-0.24			S	
217820_s_at	-1.33	-1.08		2.51
-0.24			S	
S				
219228_at	-0.59	-1.48		2.6
-0.25			S	
S				
221718_s_at	-1.35	-1.3		3.09
-0.26			S	
S				
204163_at	-0.56	-2.22		2.67
-0.26			S	
S				
211945_s_at	-1.04	-1.09		2.73
-0.27			S	
37408_at	-0.94	-2.73		3.36
-0.28			S	
S				
218094_s_at	-1.97	-1.97		3.21
-0.28			S	
S				
209154_at	-0.32	-2.88		3.13
-0.28			S	
S				

210249_s_at -0.28	-1.65	0.02	S	2.53
204436_at -0.3	-1.73	-1.37	S	4.71
202021_x_at -0.31	-1.41	-1.02	S	3.01
206932_at -0.31 S	-0.73	-1.4	S	2.97
213422_s_at -0.32 S	-1.71	-1.39	S	3.27
209487_at -0.33 S	-2.4	-2.49	S	3.66
201655_s_at -0.33 S	-1.42	-1.68	S	2.85
212134_at -0.33	-0.87	-1.18	S	2.55
211964_at -0.35 S	-1.37	-1.94	S	3.29
218429_s_at -0.35	-0.51	-0.89	S	2.5
212724_at -0.38 S	-0.99	-2.78	S	3.24
202440_s_at -0.39 S	-1.34	-2.81	S	3.65
213075_at -0.4 S	-1.05	-1.89	S	2.52
211980_at -0.41 S	-0.99	-1.79	S	3.36
214752_x_at -0.41 S	-0.81	-3.12	S	3.19
200985_s_at -0.41	-0.49	-1.75	S	2.51
209454_s_at -0.42	-2	-1.39	S	3.02

S				
213113_s_at	-1.35	-1.91		3.79
-0.43			S	
200859_x_at	-0.79	-3.17		3.27
-0.43			S	
S				
206332_s_at	-1.26	-1.28		3.08
-0.43			S	
S				
37384_at	-1.05	-1.23		2.73
-0.43			S	
204464_s_at	-0.13	-2.58		2.72
-0.43			S	
S				
221747_at	-1.49	-2.25		3.5
-0.44			S	
S				
212169_at	-1	-1.58		3.16
-0.44			S	
211256_x_at	-1.55	-0.53		2.94
-0.45			S	
201934_at	-0.53	-1.27		2.52
-0.45			S	
218087_s_at	-1.73	-1.22		2.79
-0.46			S	
S				
219993_at	-1.86	0.47		2.68
-0.47			S	
221755_at	-1.4	-1.22		2.52
-0.47			S	
S				
202734_at	-0.5	-2.45		3.62
-0.48			S	
57715_at	-1.34	-1.4		2.99
-0.48			S	
S				
221656_s_at	-1.92	-0.21		2.76
-0.48			S	
201460_at	-1.71	-0.4		3.66
-0.49			S	
218183_at	-0.18	-2.2		2.91

-0.49			S	
212017_at	-1.08	-0.72		2.67
-0.49			S	
52651_at	-1.49	-0.55		2.59
-0.49			S	
209129_at	-0.86	-3.24		3.38
-0.5			S	
S				
215333_x_at	0.46	-2.64		2.69
-0.5			S	
205578_at	-0.34	-1.74		2.53
-0.5			S	
211340_s_at	-1.8	-1.98		3.98
-0.51			S	
S				
204099_at	0.37	-3.16		3.24
-0.51			S	
211780_x_at	-0.21	-1.73		3.13
-0.51			S	
218029_at	-1.48	-0.71		3.06
-0.51			S	
212914_at	-1.08	-1.91		2.98
-0.51			S	
S				
209355_s_at	-0.21	-2		2.89
-0.51			S	
S				
211296_x_at	-1.72	0.37		3.42
-0.52			S	
212793_at	-0.5	-1.33		3.27
-0.52			S	
S				
201841_s_at	-0.87	-1.56		3.1
-0.52			S	
S				
213005_s_at	-0.27	-2.41		2.59
-0.52			S	
S				
210095_s_at	0.009258222	-2.06		2.64
-0.53			S	
S				

200986_at	-1.92	-2.25	4.96
-0.54		S	
S			
208789_at	-1.38	-2.15	3.46
-0.54		S	
S			
203249_at	-0.4	-1.59	2.72
-0.54		S	
211719_x_at	-1.69	0.00244334	2.67
-0.54		S	
S			
210105_s_at	-2.16	-1.16	3.51
-0.55		S	
S			
212071_s_at	-1.04	-1.3	3.1
-0.55		S	
212730_at	-0.49	-2.37	2.97
-0.55		S	
S			
201082_s_at	-0.91	-0.32	2.65
-0.55		S	
202205_at	-2.28	0.11	2.84
-0.56		S	
214894_x_at	-1.5	-0.62	2.59
-0.56		S	
S			
207842_s_at	-1.78	0.11	2.53
-0.56		S	
205100_at	-0.73	-1.73	3.06
-0.57		S	
203404_at	-0.92	-0.93	2.67
-0.57		S	
217437_s_at	-0.98	-1.52	3.1
-0.58		S	
S			
212188_at	-1.66	-0.32	2.71
-0.58		S	
S			
222065_s_at	-1.11	-0.28	2.62
-0.59		S	
203063_at	-0.95	-1.07	2.69
-0.6		S	

206649_s_at -0.61	-1.06	-0.72	S	3.33
212361_s_at -0.62 S	-2.19	-0.96	S	3.25
219593_at -0.62	-0.85	0.11	S	2.57
210764_s_at -0.63 S	-1.28	-0.61	S	2.71
221846_s_at -0.63	-0.8	-0.22	S	2.5
200911_s_at -0.64 S	-1.12	-2.19	S	3.72
201389_at -0.64 S	-0.93	-0.88	S	3.34
212195_at -0.64	-0.06	-2.13	S	2.88
213924_at -0.64 S	-1.48	-1.36	S	2.75
218232_at -0.64	-1.09	-0.004463202	S	2.68
210588_x_at -0.64	-0.86	-0.05	S	2.5
202048_s_at -0.65	-1.19	-1.72	S	3.65
203725_at -0.65 S	-1.05	-0.52	S	3.48
201060_x_at -0.65 S	-0.64	-1.87	S	3.42
215222_x_at -0.65	-0.91	-0.85	S	2.8
215464_s_at -0.66 S	-0.34	-1.96	S	3.16
200694_s_at	-0.35	-1.29		2.86

-0.66			S	
210110_x_at	-1.45	0.34		2.68
-0.66			S	
212764_at	-1.53	-0.49		2.6
-0.66			S	
S				
218162_at	-0.63	-2.17		3.49
-0.67			S	
207984_s_at	0.57	-1.89		2.62
-0.67			S	
45297_at	-1.07	-1.85		3.65
-0.68			S	
S				
204682_at	-2.73	-0.14		3
-0.68			S	
S				
202686_s_at	-2.35	-0.65		3.09
-0.69			S	
S				
40560_at	-1.97	-0.2		2.56
-0.69			S	
210987_x_at	0.03	-3.57		3.59
-0.7			S	
213656_s_at	-0.68	-1.61		3.21
-0.7			S	
S				
205325_at	-0.44	-0.92		2.74
-0.7			S	
209324_s_at	-1.22	-0.41		2.7
-0.7			S	
216442_x_at	-1.5	0.16		2.5
-0.7			S	
S				
209087_x_at	-1.82	-1.05		3.57
-0.71			S	
S				
214265_at	-1.74	-0.45		3.1
-0.71			S	
S				
208306_x_at	-0.57	-0.72		2.74
-0.71			S	

212240_s_at	0.15	-1.26	2.62
-0.71			S
S			
204037_at	-0.59	-0.65	3.24
-0.72			S
S			
218223_s_at	-1.09	-1.27	2.78
-0.72			S
S			
202047_s_at	-0.81	-0.96	2.61
-0.72			S
S			
213746_s_at	-0.44	-2.86	3.33
-0.73			S
S			
218641_at	-0.81	-0.67	2.76
-0.73			S
202789_at	-0.11	-0.38	2.54
-0.73			S
210495_x_at	-1.57	0.25	2.69
-0.74			S
S			
202192_s_at	-0.93	-0.66	2.66
-0.74			S
205303_at	0.66	-2.75	2.54
-0.74			S
207714_s_at	-1.21	-0.5	4.57
-0.75			S
S			
209074_s_at	-0.31	-2.51	3.53
-0.75			S
S			
201438_at	-1.2	-1.52	3.41
-0.75			S
S			
207961_x_at	-0.36	-2.67	3.26
-0.75			S
S			
212504_at	0.01	-2.18	2.86
-0.75			S
211990_at	-0.25	-0.71	2.54
-0.75			S
208633_s_at	-1.41	-0.5	3.18
-0.76			S

S				
221527_s_at	-0.28	-1.15		2.65
-0.76			S	
212135_s_at	-0.98	-1.58		3.04
-0.77			S	
S				
204894_s_at	-0.56	-1.73		2.81
-0.77			S	
S				
218870_at	-0.41	-0.44		2.62
-0.77			S	
201215_at	0.17	-1.29		2.51
-0.77			S	
S				
202796_at	-2.04	-1.14		3.92
-0.78			S	
S				
201995_at	-0.79	-1.51		3.81
-0.78			S	
S				
201743_at	-1.06	-1.08		3.27
-0.78			S	
S				
212494_at	-0.7	-1.38		2.92
-0.78			S	
S				
217830_s_at	-0.52	-0.46		2.68
-0.78			S	
219620_x_at	-0.91	0.23		2.51
-0.78			S	
201185_at	0.33	-3.61		3.44
-0.79			S	
217762_s_at	-1.7	-1.03		3.62
-0.8			S	
S				
201957_at	-1.19	-1.23		3.07
-0.8			S	
S				
44702_at	-0.54	-2.47		3.95
-0.81			S	
202565_s_at	-0.74	-2		3.3
-0.81			S	
S				
203944_x_at	-0.04	-1.53		3.01

-0.81			S	
206813_at	0.1	-1.55		2.78
-0.81			S	
214077_x_at	-0.97	-1.28		3.14
-0.82			S	
204043_at	-0.54	-0.75		3.27
-0.83			S	
206284_x_at	-1.45	0.35		3
-0.83			S	
202577_s_at	-0.16	-1.44		2.99
-0.83			S	
209101_at	-1.73	-0.24		2.98
-0.83			S	
S				
204688_at	-0.58	-0.82		2.73
-0.83			S	
S				
215051_x_at	0.04	-0.99		2.69
-0.83			S	
222101_s_at	-0.96	-0.64		2.65
-0.83			S	
S				
210916_s_at	-1.49	0.57		2.91
-0.84			S	
202762_at	-1.46	-0.47		2.85
-0.84			S	
S				
200808_s_at	-1.33	-0.37		3.16
-0.85			S	
S				
209047_at	-2.97	0.04		3.14
-0.85			S	
S				
202522_at	-1.69	-0.51		3.04
-0.85			S	
200066_at	-0.83	-0.22		2.88
-0.85			S	
200784_s_at	-1.02	-0.36		2.55
-0.85			S	

201375_s_at -0.86	0.6	-1.84	S	2.74
201155_s_at -0.87	-0.73	-1.32	S	3.1
211864_s_at -0.87	0.33	-1.86	S	2.64
212503_s_at -0.87 S	-0.63	-0.62	S	2.59
212609_s_at -0.87	-1.1	-0.11	S	2.58
200696_s_at -0.88 S	-0.92	-1.81	S	3.99
202075_s_at -0.88 S	-1.15	-1.7	S	3.13
219102_at -0.88	-0.82	0.02	S	3.04
208980_s_at -0.88	-2.19	0.98	S	2.98
212082_s_at -0.88	0.2	-1.16	S	2.63
208112_x_at -0.88	-0.95	-0.64	S	2.61
219295_s_at -0.88 S	-0.94	-0.39	S	2.55
213293_s_at -0.89	-0.01	-1.63	S	3.3
216235_s_at -0.89 S	-0.07	-0.93	S	2.95
202156_s_at -0.89	-0.58	-0.73	S	2.62
202116_at -0.89	-0.21	-0.71	S	2.61
201146_at -0.9	-0.29	-1.14	S	2.81

201137_s_at -0.9	0.13	-1.19	S	2.76
209702_at -0.91	-0.6	-0.94	S	2.98
209651_at -0.92 S	-1.44	-1.81	S	3.58
217763_s_at -0.92 S	-0.53	-1.18	S	3.34
203456_at -0.92	-1.02	-0.47	S	3.16
214812_s_at -0.92	-0.67	-0.82	S	2.99
208944_at -0.93 S	-1.63	-1.24	S	4.2
202795_x_at -0.93	-0.03	-1.85	S	3.29
200758_s_at -0.94	-0.94	-0.91	S	3.62
212156_at -0.94	-0.17	-0.66	S	2.81
202685_s_at -0.94	-0.29	-0.03	S	2.64
218496_at -0.94	-0.55	-0.65	S	2.6
212561_at -0.95 S	-0.59	-1.7	S	3.76
204069_at -0.95 S	-1.1	-1.55	S	3.6
210926_at -0.95	-1.32	-0.39	S	3.49
205475_at -0.95	-0.35	-0.58	S	3.28
211981_at	-0.37	-0.3		3.09

-0.95			S	
S				
208966_x_at	-0.25	-1.05		2.95
-0.95			S	
S				
221432_s_at	-1.26	0.24		2.89
-0.95			S	
204310_s_at	0.18	-1.05		2.85
-0.95			S	
209288_s_at	0.07	-1.68		2.82
-0.95			S	
S				
202362_at	-0.08	-0.69		2.54
-0.95			S	
202273_at	-1.24	-0.96		3.83
-0.96			S	
S				
213804_at	-0.28	-0.24		2.59
-0.96			S	
212157_at	-0.42	-0.47		2.71
-0.97			S	
212803_at	-0.93	-0.65		3.46
-0.98			S	
32094_at	0.004065129	-1.63		3.27
-0.98			S	
216331_at	-1.28	-0.95		3.14
-0.99			S	
S				
217965_s_at	0.05	-0.19		2.74
-0.99			S	
203414_at	-1.11	0.33		2.56
-0.99			S	
212024_x_at	-1.06	0.06		2.83
-1			S	
204083_s_at	-0.63	-2.53		4.09
-1.01			S	
S				
221861_at	-0.13	-0.11		3.01
-1.01			S	

209039_x_at -1.01	-0.77	-0.78	2.69 S
204964_s_at -1.01 S	0.42	-1.75	2.53 S
215543_s_at -1.02	0.18	-1.93	3.48 S
202132_at -1.02	-0.88	-0.23	3.32 S
221016_s_at -1.03	-0.25	-1.99	3.56 S
212646_at -1.03 S	-1.82	-0.37	3.37 S
203749_s_at -1.03 S	-0.88	-0.6	3.36 S
211072_x_at -1.03	-0.93	0.14	3.14 S
203514_at -1.03	0.06	-0.46	3.09 S
218215_s_at -1.03	-1.12	0.34	3.06 S
212695_at -1.03	0.48	-1.49	2.87 S
205341_at -1.03	-0.33	-0.38	2.59 S
204759_at -1.03	0.55	-1.12	2.51 S
207266_x_at -1.04 S	-1.29	-1.76	4.27 S
217764_s_at -1.04 S	-1.61	-0.75	4 S
216215_s_at -1.04 S	-0.66	-1.65	3.53 S
212792_at -1.04	-0.53	-1.01	3.4 S

202898_at	-1.05	-1.11	3.28	
-1.04				S
S				
203620_s_at	-0.18	-0.94	3.04	
-1.04				S
212320_at	-1.79	0.85	2.83	
-1.04				S
216272_x_at	0.37	-0.49	2.58	
-1.04				S
205262_at	-0.45	-1.01	2.56	
-1.04				S
S				
205547_s_at	0.34	-4.65	5.54	
-1.05				S
200621_at	-0.23	-2.44	3.66	
-1.05				S
S				
211276_at	0.64	-3.84	3.38	
-1.05				S
201022_s_at	0.14	-2.16	3.14	
-1.05				S
218204_s_at	-2.02	0.26	2.9	
-1.05				S
S				
209042_s_at	-0.12	-0.28	2.75	
-1.05				S
219506_at	0.35	-1.22	2.75	
-1.05				S
AFFX-HUMGAPDH/M33197_3_at		-2.02	1.55	3
.58	-1.06			S
202117_at	-1.1	-0.73	3.36	
-1.06				S
S				
213675_at	-1.05	-1.03	3.3	
-1.06				S
S				
204963_at	0.09	-1.58	3.22	
-1.06				S
S				
202946_s_at	-0.57	-0.51	3.16	

-1.06			S	
215990_s_at	-0.58	0.19		2.66
-1.06			S	
209967_s_at	-0.75	0.12		2.57
-1.06			S	
S				
201061_s_at	-0.44	-2.24		4.38
-1.07			S	
S				
209868_s_at	-1.19	-1.34		4.2
-1.07			S	
S				
218418_s_at	-1.56	-1.79		4.15
-1.07			S	
S				
201142_at	-1.17	0.64		2.98
-1.07			S	
202609_at	0.39	-0.46		2.84
-1.07			S	
221935_s_at	-0.25	-0.27		2.7
-1.07			S	
209488_s_at	-1.24	-0.93		3.26
-1.08			S	
S				
218648_at	-1.3	-0.81		3.2
-1.08			S	
S				
202794_at	-0.15	-2.62		4.21
-1.09			S	
211653_x_at	-1.06	0.83		2.71
-1.09			S	
S				
212526_at	0.54	-1.09		2.61
-1.09			S	
212645_x_at	-0.57	0.38		2.5
-1.09			S	
220326_s_at	-0.06	-1.78		3.88
-1.1			S	
218864_at	-0.83	-0.66		3.43
-1.1			S	
S				

209948_at	-0.39	-1.34	3.03
-1.1		S	
S			
202123_s_at	-1.16	0.36	2.99
-1.1		S	
219647_at	-0.28	-1.17	2.95
-1.1		S	
S			
201379_s_at	-0.29	0.19	2.66
-1.1		S	
48117_at	0.06	-0.31	2.57
-1.1		S	
207071_s_at	-0.08	-0.99	2.56
-1.1		S	
210869_s_at	-0.98	-0.91	3.87
-1.11		S	
S			
204308_s_at	-0.74	-0.38	2.92
-1.11		S	
S			
213030_s_at	-0.39	-0.04	2.81
-1.11		S	
213417_at	-0.88	0.16	2.79
-1.11		S	
206868_at	0.43	-0.89	2.79
-1.11		S	
204257_at	-0.91	0.99	2.7
-1.11		S	
209953_s_at	-0.8	0.91	2.67
-1.12		S	
202953_at	-1.05	0.6	2.62
-1.12		S	
216033_s_at	-1.08	-0.34	3.55
-1.13		S	
204670_x_at	-0.42	-0.24	3.45
-1.13		S	
215493_x_at	-0.4	-0.91	3.45
-1.13		S	

212430_at	-1.68	-0.56		3.23
-1.13			S	
S				
202086_at	0.57	-0.71		2.97
-1.13			S	
S				
221870_at	-0.68	-1.42		4.03
-1.14			S	
S				
209345_s_at	0.18	-0.18		2.94
-1.14			S	
203143_s_at	-0.04	0.34		2.64
-1.14			S	
200795_at	0.26	-3.94		4.78
-1.15			S	
201361_at	-0.66	-0.9		3.48
-1.15			S	
218634_at	-0.04	-1.68		3.22
-1.15			S	
209200_at	-1.56	-0.08		3.18
-1.15			S	
S				
203706_s_at	-0.17	-1.29		3.14
-1.15			S	
S				
202242_at	0.53	-1.33		3.1
-1.15			S	
203542_s_at	-0.37	0.68		2.56
-1.15			S	
208679_s_at	0.63	-1.55		3.22
-1.16			S	
201069_at	0.48	-2.6		2.95
-1.16			S	
207836_s_at	-0.59	-0.97		2.77
-1.16			S	
S				
208894_at	-0.32	0.43		2.53
-1.16			S	
201300_s_at	0.49	-2.61		4.18

-1.17			S	
213568_at	0.52	-2.36		3.49
-1.17			S	
S				
214724_at	-0.76	-0.41		2.82
-1.17			S	
S				
209379_s_at	0.38	-0.73		2.54
-1.17			S	
209026_x_at	-1.22	1.66		2.51
-1.17			S	
202497_x_at	-1.93	1.31		3.68
-1.18			S	
211160_x_at	-0.29	-1.16		3.32
-1.18			S	
S				
201312_s_at	0.51	-1.67		3.27
-1.18			S	
208637_x_at	-0.24	-1.38		3.18
-1.18			S	
S				
204790_at	-0.9	-0.35		2.92
-1.18			S	
S				
222108_at	-0.82	-0.06		2.73
-1.18			S	
S				
204948_s_at	-2.34	0.31		2.65
-1.18			S	
S				
219137_s_at	0.22	0.16		2.59
-1.18			S	
206689_x_at	-0.39	-0.01		2.54
-1.18			S	
336_at	-0.15	-0.39		3.37
-1.19			S	
201719_s_at	-0.004001688		-0.61	3.25
-1.19			S	
S				
210628_x_at	0.66	-1.04		2.78
-1.19			S	

218071_s_at -1.19	-0.42	0.91	S	2.54	
205001_s_at -1.19	-0.35	0.37	S	2.54	
209318_x_at -1.2 S	-0.76	-0.19	S	2.95	
209203_s_at -1.2	0.5	-0.3	S	2.61	
201792_at -1.21 S	-1.78	-1.11	S	4.39	
201536_at -1.21 S	-1.34	-1.34	S	4.08	
209765_at -1.21	-0.97	-0.12	S	3.26	
204939_s_at -1.21 S	0.38	-0.4	S	2.73	
212005_at -1.21	-0.45	1.14	S	2.72	
212192_at -1.21 S	0.12	0.38	S	2.66	
210982_s_at -1.21	-0.2	0.34	S	2.52	
203748_x_at -1.22 S	-1.68	-1.51	S	4.44	
212658_at 1.22	-1	-1.1	S	3.87	-
213381_at -1.22 S	0.00511879	-0.92	S	3.38	
211043_s_at -1.22	-0.62	-0.07	S	3.36	
213572_s_at -1.22 S	-0.25	-0.27	S	3.01	
221127_s_at -1.22 S	0.21	-0.03	S	2.8	

222158_s_at -1.22	0.66	-0.83	S	2.58
218421_at -1.23	0.03	-3.6	S	5.97
203951_at -1.23 S	-0.24	-3.16	S	4.25
214909_s_at -1.23	-0.83	0.23	S	2.97
202439_s_at -1.24	-0.57	0.03	S	2.72
202760_s_at -1.24	-0.96	0.24	S	2.65
204595_s_at -1.24	-1.15	1.17	S	2.51
218224_at -1.25 S	0.45	-1.74	S	3.07
204000_at -1.25 S	-0.15	-0.84	S	3.05
212104_s_at -1.25 S	0.47	-1.03	S	2.72
210036_s_at -1.25 S	-0.41	-0.76	S	2.71
210794_s_at -1.25	0.05	0.14	S	2.54
200728_at -1.25	0.09	0.03	S	2.54
202719_s_at -1.25 S	-0.26	-0.36	S	2.54
214889_at -1.25 S	-0.37	0.52	S	2.51
212878_s_at -1.26 S	-0.45	0.02	S	2.75
204418_x_at -1.27	1.03	-2.64	S	3.51

200625_s_at -1.27	-0.99	0.99	S	3.15	
36030_at -1.27	-0.6	-0.67	S	3.05	
209335_at 1.27	1	-0.43	S	2.78	-
212554_at -1.27 S	-0.52	-0.37	S	2.76	
201617_x_at -1.27 S	0.1	-0.31	S	2.74	
219343_at -1.27	-0.28	1.04	S	2.59	
220974_x_at -1.28	0.54	-1.48	S	3.04	
216680_s_at -1.28	-0.93	1.68	S	2.55	
214464_at -1.28 S	1.06	-0.91	S	2.55	
212610_at -1.29	-0.63	0.56	S	3.04	
204854_at -1.29	0.22	-0.95	S	3.03	
214771_x_at -1.3 S	-1.51	-0.75	S	3.96	
221584_s_at -1.3 S	-1.23	-0.76	S	3.49	
201615_x_at -1.3 S	1.09	-1.23	S	2.86	
212025_s_at -1.3	-0.34	0.41	S	2.85	
208620_at 1.3	-1	1.76	S	2.68	-
209823_x_at -1.3	-0.3	0.27	S	2.5	

204134_at	-1.3	-0.11		3.56
-1.31			S	
S				
201090_x_at	-0.87	0.39		3.51
-1.31			S	
201380_at	-0.17	-0.67		3.34
-1.31			S	
202371_at	0.66	-0.89		3.33
-1.31			S	
213974_at	-1.38	0.27		2.89
-1.31			S	
221565_s_at	0.29	-1.39		3.43
-1.32			S	
204730_at	-0.41	-0.45		3.36
-1.32			S	
202806_at	-1.1	0.43		3.2
-1.32			S	
218599_at	0.18	-0.48		3.11
-1.32			S	
215306_at	0.02	-0.23		2.54
-1.32			S	
S				
201496_x_at	0.22	-1.59		3.48
-1.33			S	
S				
221900_at	-1.46	-0.1		3.4
-1.33			S	
S				
204151_x_at	-1.3	0.9		3.16
-1.33			S	
S				
208370_s_at	-0.49	0.03		2.87
-1.33			S	
S				
204491_at	-0.57	0.23		2.68
-1.33			S	
S				
219090_at	0.15	-1.06		2.66
-1.33			S	
S				
212822_at	-0.6	-0.95		4.21
-1.34			S	

218486_at	-0.72	-0.76	3.52
-1.34		S	
S			
202759_s_at	-1.85	0.03	3.22
-1.34		S	
S			
46270_at	-1.1	0.87	3.18
-1.34		S	
204364_s_at	-0.42	-0.01	3.05
-1.34		S	
S			
211991_s_at	0.06	-0.22	2.86
-1.34		S	
209298_s_at	-0.61	0.08	2.84
-1.34		S	
214508_x_at	-0.61	0.73	2.82
-1.34		S	
S			
203735_x_at	-1.18	0.4	3.83
-1.35		S	
215016_x_at	-0.67	-1.72	3.83
-1.35		S	
S			
221045_s_at	-0.06	-1.67	3.74
-1.35		S	
218285_s_at	1.15	-2.4	3.34
-1.35		S	
217691_x_at	-0.35	0.69	3.17
-1.35		S	
200951_s_at	-0.51	0.68	2.7
-1.35		S	
212233_at	-1.33	-1.3	4.4
-1.36		S	
S			
209191_at	-1.29	-0.74	4.19
-1.36		S	
S			
204442_x_at	0.38	-1.21	3.36
-1.36		S	
S			
214577_at	-0.43	0.3	3.23

-1.36			S		
202578_s_at	0.19	-0.04		3.19	
-1.36			S		
217362_x_at	-0.26	0.39		3.11	
-1.36			S		
218574_s_at	0.55	-0.72		3.02	
-1.36			S		
S					
211609_x_at	-0.28	0.84		2.76	
-1.36			S		
220952_s_at	0.77	-0.57		2.5	
-1.36			S		
212151_at	0.4	-2.81		3.94	
-1.37			S		
S					
207191_s_at	-0.11	-0.42		3.5	
-1.37			S		
S					
203733_at	-0.55	0.05		3.42	
-1.37			S		
205168_at	-0.61	-0.37		3.19	
-1.37			S		
S					
204754_at	0.07	-1		3.15	-
1.37			S		
S					
213249_at	0.37	-0.96		2.92	
-1.37			S		
212886_at	-0.94	0.15		2.71	
-1.37			S		
217896_s_at	0.69	-0.11		2.64	
-1.37			S		
205088_at	1.17	-1.16		2.62	
-1.37			S		
209699_x_at	-1.12	0.99		3.07	
-1.38			S		
S					
204834_at	-0.2	0.06		2.84	
-1.38			S		

208611_s_at -1.38	0.37	0.06	S	2.51
203695_s_at -1.39 S	-0.98	-0.64	S	4.14
212992_at -1.39 S	-0.94	-0.55	S	3.27
202202_s_at -1.39 S	-0.37	-0.22	S	3.14
222221_x_at -1.39	-0.84	0.17	S	2.87
218892_at -1.39 S	-0.09	-0.24	S	2.87
202916_s_at -1.39	-0.12	0.62	S	2.7
213338_at -1.39	1.27	-1.25	S	2.54
213138_at -1.4 S	-0.77	0.14	S	3.46
212549_at -1.4	0.51	-1.21	S	3.43
201980_s_at -1.4 S	-1.03	0.55	S	3.12
214439_x_at -1.4 S	-1.03	-0.44	S	3.1
205805_s_at -1.4 S	-0.35	0.01	S	3.01
212190_at -1.4 S	-1.04	0.32	S	2.64
209312_x_at -1.41	-0.28	0.01	S	3.68
203300_x_at -1.41	-0.61	0.5	S	3.51
220765_s_at -1.41	-1.39	-0.67	S	3.25

S				
205304_s_at	0.65	-1.68		3.17
-1.41			S	
210840_s_at	-0.09	-0.23		2.92
-1.41			S	
202766_s_at	0.53	-0.46		2.85
-1.41			S	
219939_s_at	0.2	0.1		2.62
-1.41			S	
208747_s_at	-0.24	-1.72		4.69
-1.42			S	
S				
201430_s_at	-0.89	0.12		3.43
-1.42			S	
S				
211769_x_at	0.62	-0.42		3.15
-1.42			S	
211538_s_at	-1.11	0.87		3
-1.42			S	
S				
205548_s_at	0.76	-0.87		2.78
-1.42			S	
208096_s_at	-1.5	1.04		2.72
-1.42			S	
216080_s_at	-0.91	1.63		2.71
-1.42			S	
216887_s_at	-0.18	0.19		2.68
-1.42			S	
S				
213798_s_at	0.34	0.17		2.52
-1.42			S	
202501_at	-1.31	-0.21		3.73
-1.43			S	
S				
213071_at	-0.42	0.22		3.47
-1.43			S	
S				
205331_s_at	-0.93	0.93		3.17
-1.43			S	
204497_at	-1.58	0.16		3.15

-1.43			S		
S					
213400_s_at	-0.74	-0.59		3.01	
-1.43			S		
S					
213982_s_at	0.01	0.05		2.95	
-1.43			S		
218935_at	0.13	-0.28		2.91	
-1.43			S		
217946_s_at	-1.06	1.06		2.88	
-1.43			S		
209015_s_at	-0.66	0.74		2.72	
-1.43			S		
S					
200879_s_at	-0.07	0.82		2.67	
-1.43			S		
218518_at	1.05	-0.27		2.62	
-1.43			S		
219367_s_at	-0.25	0.2		2.52	
-1.43			S		
221473_x_at	0.46	-0.16		3.36	
-1.44			S		
210613_s_at	0.85	-1.68		3.25	
-1.44			S		
213744_at	0.03	0.28		3	-1
.44			S		
202828_s_at	-0.63	0.22		2.97	
-1.44			S		
204396_s_at	-0.48	-0.2		2.91	
-1.44			S		
S					
202728_s_at	-0.45	-0.19		3.68	
-1.45			S		
S					
219165_at	0.15	-0.37		3.02	
-1.45			S		
S					
209291_at	1.77	-2.77		2.92	
-1.45			S		
221760_at	1	-0.4		2.8	-1.

45		S	
205109_s_at	0.77	-1.08	2.79
-1.45		S	
206050_s_at	0.59	-0.2	2.57
-1.45		S	
212915_at	0.01	0.81	2.5
-1.45		S	
243_g_at	-1.34	0.27	3.98
-1.46		S	
S			
204731_at	-0.01	-0.78	3.34
-1.46		S	
S			
207428_x_at	-0.36	0.5	3.02
-1.46		S	
201718_s_at	-0.98	0.71	2.98
-1.46		S	
213134_x_at	0.87	-0.89	2.94
-1.46		S	
207630_s_at	-0.87	0.55	3.12
-1.47		S	
S			
209834_at	0.51	-1.04	2.99
-1.47		S	
209563_x_at	0.9	-1.49	2.83
-1.47		S	
222327_x_at	0.37	0.13	2.65
-1.47		S	
201852_x_at	0.19	0.25	2.53
-1.47		S	
S			
202947_s_at	-0.53	-1.33	4.24
-1.48		S	
S			
201150_s_at	0.68	-0.7	3.17
-1.48		S	
S			
218032_at	0.6	-0.49	3.06
-1.48		S	
214761_at	0.33	-0.47	2.75

-1.48			S	
S				
211573_x_at	-0.5	1.09		2.71
-1.48			S	
204421_s_at	0.43	0.07		2.54
-1.48			S	
212254_s_at	-1.33	-1.52		4.33
-1.49			S	
S				
200609_s_at	-1.33	-0.67		4.06
-1.49			S	
S				
208760_at	-0.29	-0.48		3.27
-1.49			S	
S				
202908_at	0.1	-0.67		2.99
-1.49			S	
S				
215537_x_at	0.03	-0.11		2.92
-1.49			S	
208790_s_at	0.19	-1.55		3.84
-1.5			S	
S				
218298_s_at	1.42	-2.26		3.55
-1.5			S	
202613_at	-1.27	0.73		3.32
-1.5			S	
S				
212757_s_at	-0.45	-0.64		3.24
-1.5			S	
S				
218718_at	1.09	-0.91		3.1
-1.5			S	
202291_s_at	0.04	0.76		3.05
-1.5			S	
S				
208868_s_at	-0.25	0.66		2.93
-1.5			S	
210471_s_at	0.66	-1.05		2.83
-1.5			S	
209633_at	-1	1.05		2.77
1.5			S	-
215485_s_at	0.05	1.34		2.75

-1.5			S	
218175_at	-0.59	0.34		2.7
-1.5			S	
212457_at	-1.74	-0.14		4.36
-1.51			S	
S				
204352_at	-0.04	-0.89		4.11
-1.51			S	
S				
200897_s_at	-0.8	-1.7		4.11
-1.51			S	
S				
212423_at	-0.88	-0.83		4.07
-1.51			S	
S				
211058_x_at	-1.32	0.69		4
-1.51			S	
218815_s_at	0.004046135	-1.06		3.78
-1.51			S	
35846_at	0.12	-0.15		3.03
-1.51			S	
205611_at	-0.15	0.03		2.9
-1.51			S	
219114_at	0.59	-0.27		2.88
-1.51			S	
205961_s_at	0.58	-0.4		2.83
-1.51			S	
201616_s_at	-0.94	-0.61		3.72
-1.52			S	
S				
212344_at	-0.47	0.32		3.33
-1.52			S	
S				
211026_s_at	-0.2	0.03		3.01
-1.52			S	
S				
217765_at	0.24	-0.32		3.76
-1.53			S	
216236_s_at	-1.5	1.62		3.57
-1.53			S	

32502_at -1.53	-0.92	0.37	S	3.33
221922_at -1.53	0.43	0.6	S	2.76
204611_s_at -1.53	-0.32	1.17	S	2.66
218368_s_at -1.54 S	-1.83	1.26	S	3.97
203151_at -1.54	-0.06	-1.14	S	3.88
218651_s_at -1.54	-0.05	-0.24	S	3.13
202432_at -1.54	0.47	-0.42	S	3.03
200813_s_at -1.54	0.18	0.16	S	2.89
213181_s_at -1.54	-0.19	1.03	S	2.88
204872_at -1.54	0.33	0.02	S	2.87
202410_x_at -1.54	0.79	0.15	S	2.68
212509_s_at -1.55	0.46	-2.82	S	4.59
201431_s_at -1.55 S	-0.49	-1.8	S	4.43
203853_s_at -1.55	-2.26	0.78	S	4.14
209090_s_at -1.55 S	0.1	-1.28	S	3.63
212481_s_at -1.55	0.36	0.71	S	3.02
221753_at -1.55	1.12	-0.48	S	2.8

209202_s_at -1.55	-0.69	1.19	S	2.79
206666_at -1.55	0.14	0.96	S	2.61
203666_at -1.56	1.31	-1.06	S	2.96
202450_s_at -1.56 S	-0.24	0.2	S	2.72
208749_x_at -1.56	-0.18	1.31	S	2.66
213566_at -1.56	-0.51	1.5	S	2.61
206580_s_at -1.57 S	0.31	-3.09	S	5.21
201540_at -1.57 S	-0.86	-1.3	S	4.59
209663_s_at -1.57 S	-0.46	-0.28	S	3.39
215706_x_at -1.57 S	-0.56	-0.22	S	3.38
218980_at -1.57 S	-0.1	-0.85	S	3.09
202652_at -1.57	0.4	-0.18	S	2.97
205265_s_at -1.57 S	-0.95	0.01	S	2.89
203771_s_at -1.57	0.07	1.12	S	2.63
218127_at -1.57	1.04	-0.16	S	2.6
212197_x_at -1.58 S	-1.75	-0.45	S	4.68
209264_s_at	-0.33	-0.42		3.69

-1.59			S	
S				
200923_at	2.01	-2.57		3.35
-1.59			S	
37022_at	0.84	-0.62		2.93
-1.59			S	
204517_at	1.24	-1.01		2.92
-1.59			S	
214039_s_at	0.51	-1.54		4.41
-1.6			S	
S				
212230_at	0.79	-1.95		3.9
-1.6			S	
S				
213547_at	-0.36	-0.25		3.78
-1.6			S	
202283_at	1.17	-1.92		3.6
-1.6			S	
207542_s_at	-1.56	1.06		3.53
-1.6			S	
S				
219058_x_at	-0.48	-0.000173235		3.38
-1.6			S	
218997_at	0.27	0.15		2.87
-1.6			S	
204979_s_at	-0.21	0.54		2.71
-1.6			S	
S				
220975_s_at	0.94	-1.31		4.01
-1.61			S	
211504_x_at	0.28	0.59		2.75
-1.61			S	
57588_at	0.86	-0.34		2.71
-1.61			S	
S				
204174_at	0.12	0.52		2.62
-1.61			S	
214212_x_at	0.26	0.36		2.5
-1.61			S	
S				

(371)

JP 2008-504803 A5 2011.8.18

200953_s_at	-0.5	-1.08	4.44
-1.62			S
S			
209009_at	1.26	-0.96	3.03
-1.62			S
218876_at	-0.09	0.91	3.02
-1.62			S
218499_at	0.77	-0.41	2.71
-1.62			S
218312_s_at	0.72	-0.17	2.69
-1.62			S
209156_s_at	0.01	-1.62	3.88
-1.63			S
S			
200982_s_at	0.32	-1.25	3.76
-1.63			S
S			
206938_at	0.98	-1.04	3.12
-1.63			S
212299_at	0.62	-0.13	3.02
-1.63			S
209501_at	-0.46	0.76	2.94
-1.63			S
S			
216594_x_at	-1.06	1.24	3.48
-1.64			S
S			
212817_at	-0.63	-0.03	3.38
-1.64			S
S			
209568_s_at	1.14	-0.43	2.94
-1.64			S
204755_x_at	0.54	-0.17	2.63
-1.64			S
S			
219578_s_at	0.57	0.46	2.56
-1.64			S
64942_at	0.59	-1.59	3.93
-1.65			S
53991_at	-0.14	0.24	3.29
-1.65			S

212736_at	-0.58	0.05		3.09
-1.66			S	
S				
202254_at	-0.35	0.72		2.73
-1.66			S	
218196_at	0.82	0.33		2.6
-1.66			S	
212274_at	-0.14	-1.22		3.81
-1.67			S	
S				
212848_s_at	0.61	-1.14		3.42
-1.67			S	
S				
210517_s_at	-0.06	0.42		3.29
-1.67			S	
S				
220272_at	0.12	-0.17		3.05
-1.67			S	
203131_at	1.17	-0.04		2.81
-1.67			S	
S				
204422_s_at	0.12	0.43		2.76
-1.67			S	
200788_s_at	-1.22	0.68		3.76
-1.68			S	
207629_s_at	0.16	0.22		3.51
-1.68			S	
204928_s_at	-0.71	1.1		3.31
-1.68			S	
200601_at	0.05	0.05		3.31
-1.68			S	
S				
203710_at	0.58	-0.4		3.24
-1.68			S	
S				
204993_at	0.67	-0.74		3.02
-1.68			S	
214247_s_at	1.42	-2.46		4.5
-1.69			S	
S				
213453_x_at	-1.06	1.85		3.55

-1.69			S	
212670_at	-0.64	1.19		3.43
-1.69			S	
203241_at	0.31	0.08		3.07
-1.69			S	
202765_s_at	-0.34	0.18		2.84
-1.69			S	
S				
203705_s_at	-0.29	-0.68		3.67
-1.7			S	
S				
215193_x_at	0.16	0.28		3.3
-1.7			S	
212154_at	-0.24	1.14		2.99
-1.7			S	
212470_at	-0.57	1.03		2.89
-1.7			S	
206445_s_at	-0.08	1.23		2.72
-1.7			S	
212376_s_at	0.46	0.78		2.55
-1.7			S	
217211_at	-0.53	0.06		4.02
-1.71			S	
S				
209199_s_at	-1.53	0.63		3.56
-1.71			S	
S				
212581_x_at	-0.69	1.78		3.29
-1.71			S	
206510_at	-0.73	0.76		2.78
-1.71			S	
207547_s_at	0.11	-1.23		3.7
-1.72			S	
S				
201641_at	1.25	-1.29		3.56
-1.72			S	
220751_s_at	0.7	-1.48		3.47
-1.72			S	

213630_at -1.72	0.48	0.02	S	2.88
212698_s_at -1.72	1.33	-0.04	S	2.64
206158_s_at -1.72	0.62	1.56	S	2.59
202506_at -1.72	-0.21	1.13	S	2.57
204345_at -1.73 S	-0.46	-0.81	S	4.57
212653_s_at -1.73	-1.42	1.55	S	2.95
216438_s_at -1.73	1.17	0.42	S	2.95
201603_at -1.73 S	0.8	-0.15	S	2.94
206076_at -1.73	0.13	0.97	S	2.74
212419_at -1.74 S	-0.15	-1.2	S	4.36
208767_s_at -1.74 S	-0.03	0.2	S	3.85
212551_at -1.74 S	-0.63	-0.54	S	3.55
203370_s_at -1.74 S	0.61	-0.67	S	3.48
201738_at -1.74	0.79	0.37	S	3.28
211654_x_at -1.74	-0.39	0.73	S	3.2
209616_s_at -1.74 S	1.23	-0.32	S	3.19
210460_s_at -1.74	0.09	1.06	S	2.9

204100_at -1.74	0.53	0.19	S	2.78
201609_x_at -1.74	-0.49	1.81	S	2.66
200611_s_at -1.75 S	-0.48	0.04	S	3.88
203296_s_at -1.75 S	0.34	-0.86	S	3.82
203324_s_at -1.75 S	0.6	-0.57	S	3.63
217398_x_at -1.75	-0.72	1.88	S	3.42
203884_s_at -1.75	0.53	0.14	S	3.02
204504_s_at -1.75	0.07	0.38	S	3.01
201270_x_at -1.75	0.94	-0.34	S	2.78
221486_at -1.75	0.32	1.04	S	2.7
215195_at -1.75	0.87	0.66	S	2.67
213646_x_at -1.76	-0.49	0.53	S	3.87
212354_at -1.76 S	-0.72	0.25	S	3.65
213093_at -1.76	1.11	-0.78	S	3.15
201958_s_at -1.76	0.72	0.18	S	2.87
216693_x_at -1.76	0.74	0.48	S	2.72
212497_at	-0.44	2.17		2.64

-1.76			S	
212566_at	-1.45	0.08		4.37
-1.77			S	
S				
213102_at	-0.06	1.58		2.69
-1.77			S	
205792_at	-0.65	1.19		3.05
-1.78			S	
S				
213258_at	0.97	0.46		2.95
-1.78			S	
S				
210155_at	-0.92	1.45		2.92
-1.78			S	
206382_s_at	0.28	0.81		2.5
-1.78			S	
209086_x_at	-0.36	-0.37		4.28
-1.79			S	
S				
205116_at	0.17	0.76		3.14
-1.79			S	
213252_at	0.88	0.07		3.1
-1.79			S	
210202_s_at	-0.22	0.19		3.09
-1.79			S	
S				
207317_s_at	-1.67	1.22		3.07
-1.79			S	
S				
212371_at	0.57	0.21		3.01
-1.79			S	
S				
201804_x_at	-0.05	1.44		2.99
-1.79			S	
200059_s_at	-0.2	1.56		2.97
-1.79			S	
201040_at	1.56	-1.41		2.71
-1.79			S	
202055_at	0.34	1.04		2.58
-1.79			S	

202994_s_at -1.8 S	0.86	-1.71	S	4.6
209251_x_at -1.8	-1.12	1.23	S	4.35
213428_s_at -1.8 S	-0.61	-1.17	S	4.04
202196_s_at -1.8 S	1.18	-0.95	S	3.92
209646_x_at -1.8 S	-1.84	1.61	S	3.87
210201_x_at -1.8 S	-0.69	0.03	S	3.26
201037_at -1.8 S	-1.05	0.72	S	3.24
204763_s_at -1.8	1.49	-0.7	S	2.86
202921_s_at -1.8	0.04	0.88	S	2.58
209198_s_at -1.8	0.89	0.83	S	2.53
218678_at -1.81 S	-0.26	-1.73	S	4.66
205132_at -1.81 S	-0.34	-0.47	S	3.9
203167_at -1.81	-0.17	-0.01	S	3.86
212639_x_at -1.81	-0.69	0.92	S	3.83
200762_at -1.81 S	0.54	-0.07	S	3.61
204114_at -1.81 S	0.57	-0.45	S	3.54
221902_at -1.81	0.66	0.04	S	3.34

214110_s_at -1.81	0.34	0.79	S	3.25
213151_s_at -1.81	1.18	0.22	S	3.18
200931_s_at -1.82 S	-0.61	-1.15	S	4.2
58780_s_at -1.82 S	0.26	-0.24	S	3.76
212276_at -1.82 S	0.19	-0.74	S	3.57
202931_x_at -1.82 S	-0.57	0.02	S	3.3
218472_s_at -1.82	0.2	0.88	S	2.94
207453_s_at -1.82	-0.25	0.69	S	2.89
213911_s_at -1.82	0.25	1.39	S	2.82
213455_at -1.83	1.26	-1.02	S	3.7
209539_at -1.83	0.57	-0.15	S	3.55
204030_s_at -1.83 S	-0.24	0.19	S	3.13
211275_s_at -1.83	0.67	0.75	S	2.89
206216_at -1.83	0.22	1.15	S	2.62
209656_s_at -1.84 S	0.17	-0.29	S	3.51
211966_at -1.84 S	0.38	-0.09	S	3.32
212998_x_at	0.24	0.66		3.11

-1.84			S	
200980_s_at	-0.65	2.04		2.96
-1.84			S	
201837_s_at	0.21	0.87		2.96
-1.84			S	
213524_s_at	-0.62	-0.12		4.43
-1.85			S	
S				
205076_s_at	-0.64	-0.29		3.93
-1.85			S	
S				
215253_s_at	-0.65	1.2		3.42
-1.85			S	
202052_s_at	-1.3	1.08		3.41
-1.85			S	
S				
202411_at	0.98	-0.44		3.41
-1.85			S	
200886_s_at	1.19	-0.52		3.32
-1.85			S	
201868_s_at	0.74	0.37		2.83
-1.85			S	
209818_s_at	0.43	0.88		2.67
-1.85			S	
201148_s_at	-0.75	-0.33		4.68
-1.86			S	
S				
209197_at	0.49	-0.42		3.64
-1.86			S	
211031_s_at	0.03	0.49		3.17
-1.86			S	
211003_x_at	-0.05	1.49		2.85
-1.86			S	
219282_s_at	0.64	1.23		2.8
-1.86			S	
211874_s_at	1.58	0.08		2.59
-1.86			S	

213068_at	-0.22	0.6		3.56
-1.87			S	
S				
203065_s_at	0.18	-0.39		3.51
-1.87			S	
S				
203794_at	0.36	-0.57		3.35
-1.87			S	
207838_x_at	1.21	0.16		2.75
-1.87			S	
201785_at	-0.68	1.25		2.73
-1.87			S	
S				
217432_s_at	0.17	1.5		2.69
-1.87			S	
209763_at	0.8	-1.37		4.57
-1.88			S	
S				
204041_at	-0.12	-1.46		4.32
-1.88			S	
S				
206518_s_at	0.18	1.31		2.56
-1.88			S	
214258_x_at	1.45	-0.13		2.52
-1.88			S	
219561_at	0.83	-2.51		4.33
-1.89			S	
219179_at	0.01	0.33		3.22
-1.89			S	
S				
211289_x_at	0.24	1.14		3
-1.89			S	
205231_s_at	-0.29	1.11		2.96
-1.89			S	
201108_s_at	-0.31	1.04		2.86
-1.89			S	
S				
218820_at	1.47	-0.7		2.77
-1.89			S	
216866_s_at	0.07	0.98		2.6
-1.89			S	

209897_s_at -1.9 S	0.33	-0.79	S	4.46
201787_at -1.9 S	0.85	-1.58	S	4.43
202530_at -1.9	0.9	0.21	S	2.97
201867_s_at -1.9 S	0.99	-0.24	S	2.66
209337_at -1.91	1.31	-0.37	S	3.4
218299_at -1.91	-1.04	2.26	S	3.32
207172_s_at -1.91	0.17	0.87	S	2.98
209292_at -1.91	1.71	-0.34	S	2.81
211984_at -1.92 S	0.19	-0.47	S	3.91
209287_s_at -1.92 S	0.46	0.02	S	3.25
202003_s_at -1.92	1.62	-0.4	S	2.98
209263_x_at -1.93 S	-0.34	-0.43	S	4.99
202566_s_at -1.93 S	0.41	-0.47	S	3.75
201021_s_at -1.93	0.92	-0.8	S	3.72
200771_at -1.93 S	-0.84	0.83	S	3.43
212408_at -1.93	1.18	-0.04	S	3.26
212607_at -1.93	-0.81	2.34	S	2.63

210736_x_at -1.93	1.93	-0.46	S	2.58	
217728_at -1.94 S	0.41	-2.07	S	5.29	
217795_s_at -1.94 S	-0.6	-0.9	S	5.09	
202133_at -1.94 S	0.61	-0.06	S	3.78	
200713_s_at -1.94	0.22	0.08	S	3.7	
201968_s_at -1.94	1.27	-0.69	S	3.64	
213992_at -1.94 S	1.12	-1.36	S	3.53	
213107_at -1.94	0.16	0.96	S	2.91	
215606_s_at -1.94	1.66	-0.74	S	2.72	
217865_at -1.94	0.85	0.89	S	2.67	
209401_s_at -1.94	0.92	0.98	S	2.56	
214510_at 1.94	0.47	1.5	S	2.5	-
209747_at -1.95	1.05	-0.88	S	3.96	
204518_s_at -1.95	0.94	-0.73	S	3.6	
209786_at -1.95	1.26	-0.5	S	3.54	
210871_x_at -1.95	0.81	0.29	S	3.12	
212550_at -1.95	1.06	0.53	S	3.09	

213497_at -1.95	0.49	1.21	S	2.69
203323_at -1.96 S	0.61	-1.54	S	4.47
211071_s_at -1.96	-0.7	1.93	S	3.14
204576_s_at -1.96	1.04	0.43	S	3.13
205730_s_at -1.96	-0.91	1.73	S	3.03
205480_s_at -1.96	0.7	0.71	S	2.85
213594_x_at -1.96	0.28	1.94	S	2.81
212765_at -1.96	-0.05	1.83	S	2.69
214920_at -1.96	0.89	1.24	S	2.55
204245_s_at -1.96	1.71	0.12	S	2.54
203185_at -1.97 S	-1.53	1.33	S	4.14
211750_x_at -1.97	-0.26	1.13	S	3.73
207390_s_at -1.97 S	0.57	-1.18	S	3.63
202262_x_at -1.97	-0.08	0.51	S	3.6
211985_s_at -1.97 S	0.42	0.02	S	3.57
218581_at -1.97	-0.14	1.26	S	2.98
217966_s_at	-0.23	1.35		2.59

-1.97			S	
S				
214543_x_at	1.05	1.12		2.57
-1.97			S	
202992_at	0.8	-1.36		4.9
-1.98			S	
209550_at	0.78	-1.54		4.27
-1.98			S	
S				
204223_at	-0.06	-0.34		4.1
-1.98			S	
S				
204610_s_at	-0.86	1.48		3.8
-1.98			S	
204344_s_at	0.05	0.56		3.43
-1.98			S	
S				
218497_s_at	0.68	1.07		3.05
-1.98			S	
204829_s_at	-0.002668978		1.38	3.51
-1.99			S	
203586_s_at	-0.38	0.45		3.41
-1.99			S	
202009_at	0.12	1.19		2.9
-1.99			S	
205741_s_at	0.04	1.57		2.79
-1.99			S	
200615_s_at	-0.54	2.42		2.69
-1.99			S	
206070_s_at	1.59	0.09		2.55
-1.99			S	
200907_s_at	-0.61	-0.23		4.12
-2			S	
S				
209721_s_at	-0.27	-0.2		3.83
-2			S	
207302_at	1.13	0.28		2.86
-2			S	
201858_s_at	0.31	0.73		3.58

-2.01			S	
S				
221885_at	0.31	0.8		3.34
-2.01			S	
212651_at	0.11	1.55		3.32
-2.01			S	
205918_at	0.39	0.45		3.18
-2.01			S	
209194_at	1.35	0.42		2.99
-2.01			S	
204341_at	-0.75	1.38		2.98
-2.01			S	
S				
209485_s_at	1.94	-0.23		2.61
-2.01			S	
219140_s_at	0.63	1.42		2.55
-2.01			S	
203017_s_at	1.36	0.52		2.64
-2.02			S	
219230_at	0.62	1.3		2.52
-2.02			S	
AFFX-HUMGAPDH/M33197_M_at		-0.6		2.04
76	-2.03			3.
			S	
212798_s_at	0.8	-0.22		3.71
-2.03			S	
201234_at	1.12	-0.78		3.39
-2.03			S	
210632_s_at	-0.38	0.89		3.3
-2.03			S	
221737_at	0.29	1.69		2.93
-2.03			S	
209895_at	0.72	1.26		2.54
-2.03			S	
203174_s_at	1.01	0.82		2.51
-2.03			S	

203903_s_at -2.04 S	1.24	-0.69	3.79	S
202579_x_at -2.04	1.71	-1.09	3.13	S
211251_x_at -2.04	0.3	1.21	2.9	S
219935_at -2.04 S	0.14	0.77	2.71	S
201058_s_at -2.05 S	1.07	-2.69	5.03	S
201153_s_at -2.05 S	0.65	0.56	3.92	S
213371_at -2.05 S	-0.15	0.18	3.72	S
218089_at -2.05	0.13	1.01	3.41	S
201604_s_at -2.05 S	0.67	0.68	2.91	S
204058_at -2.05	1.45	0.53	2.84	S
205824_at -2.06	-0.21	0.55	3.24	S
213688_at -2.06	-0.04	1.24	3.18	S
212302_at -2.06	0.61	1.21	3.08	S
221907_at -2.06	0.36	1.5	2.84	S
203810_at -2.06 S	1.48	0.93	2.83	S
204749_at -2.06	1.29	0.79	2.73	S
35776_at -2.07	-0.57	-0.4	4.27	S

S				
202074_s_at	-0.47	0.07		3.9
-2.07			S	
S				
201152_s_at	-0.04	0.03		3.82
-2.07			S	
S				
209242_at	1.35	0.11		3.29
-2.07			S	
221564_at	0.67	0.69		2.93
-2.07			S	
212758_s_at	1.34	0.51		2.78
-2.07			S	
221729_at	1.09	0.7		2.54
-2.07			S	
S				
209283_at	-0.75	-0.2		4.55
-2.08			S	
S				
210976_s_at	-1.07	0.88		4.46
-2.08			S	
212813_at	-0.6	-0.48		4.24
-2.08			S	
S				
209210_s_at	1.12	-0.12		3.78
-2.08			S	
S				
204773_at	0.92	0.81		3.13
-2.08			S	
205715_at	0.64	1.3		3.02
-2.08			S	
219646_at	0.21	1.62		2.77
-2.08			S	
203369_x_at	1.59	0.24		2.64
-2.08			S	
212253_x_at	-0.58	-0.14		4.66
-2.09			S	
S				
207876_s_at	-0.87	-0.13		4.05
-2.09			S	
S				
212747_at	-0.29	1.18		3.24

-2.09			S	
212206_s_at	-0.25	2.12		3.19
-2.09			S	
213993_at	1.22	0.8		2.99
-2.09			S	
201505_at	0.99	1.35		2.94
-2.09			S	
S				
201426_s_at	0.4	-0.61		4.57
-2.1			S	
S				
215000_s_at	1.33	-0.23		3.51
-2.1			S	
213066_at	0.79	-0.35		3.47
-2.1			S	
218473_s_at	-0.1	1.73		3.29
-2.1			S	
205803_s_at	0.87	0.06		3.1
-2.1			S	
213901_x_at	1.5	0.42		3.03
-2.1			S	
S				
217967_s_at	-0.46	1.54		2.86
-2.1			S	
S				
206842_at	1.15	1.29		2.58
-2.1			S	
212097_at	0.23	-1.09		4.13
-2.11			S	
S				
209896_s_at	0.13	1.3		3.28
-2.11			S	
S				
210139_s_at	-1.2	-0.52		5.11
-2.12			S	
S				
203592_s_at	-0.38	1.16		4.19
-2.12			S	
214266_s_at	0.82	0.8		3.05
-2.12			S	
S				

203264_s_at	0.84	0.58	2.96	
-2.12				S
S				
212565_at	1.16	1.34	2.54	
-2.12				S
208029_s_at	1.35	-0.92	4.49	
-2.13				S
S				
212845_at	-0.42	0.13	3.79	
-2.13				S
S				
212535_at	0.46	-0.01	3.68	
-2.13				S
S				
AFFX-HUMGAPDH/M33197_5_at		-0.28	2.12	3
.64	-2.13			S
212669_at	1.39	-0.12	3.11	
-2.13				S
S				
204780_s_at	0.9	1.13	3.07	
-2.13				S
214027_x_at	-0.66	-1.62	5.26	
-2.14				S
S				
221667_s_at	-0.66	-0.99	4.54	
-2.14				S
S				
37996_s_at	0.1	0.28	3.71	
-2.14				S
S				
205404_at	0.61	0.93	3.62	
-2.14				S
218672_at	0.55	0.96	3.15	
-2.14				S
216944_s_at	0.85	0.83	3.11	
-2.14				S
S				
209436_at	1.77	-0.7	3.06	
-2.14				S
206342_x_at	0.4	1.46	3	-
2.14				S
201301_s_at	1.81	0.07	2.53	
-2.14				S

202748_at	0.28	-1.37		5.37
-2.15			S	
S				
209356_x_at	0.45	-1.84		5.1
-2.15			S	
S				
204472_at	-1.18	0.84		4.63
-2.15			S	
S				
212713_at	-0.76	0.31		3.82
-2.15			S	
S				
209708_at	-0.68	1.5		3.61
-2.15			S	
S				
202409_at	1.07	-0.48		3.53
-2.15			S	
S				
202442_at	0.21	1.32		3.35
-2.15			S	
204395_s_at	1.25	0.88		2.82
-2.15			S	
201149_s_at	0.49	0.35		4.33
-2.16			S	
S				
201313_at	-1.22	0.44		3.71
-2.16			S	
S				
219093_at	0.85	1.11		3.44
-2.16			S	
203787_at	0.74	0.79		3.27
-2.16			S	
202784_s_at	1.75	0.24		3.08
-2.16			S	
203417_at	1.28	1.46		2.84
-2.16			S	
203060_s_at	1.15	1.27		2.81
-2.16			S	
208770_s_at	1.24	1.29		2.71
-2.16			S	
211749_s_at	1.49	0.79		2.71
-2.16			S	

61734_at 2.17	-0.67	0.5	4.3	-
209170_s_at -2.17	1.7	-0.09	3.25	S
208460_at -2.17	0.35	1.46	3.04	S
208454_s_at -2.17	1.98	0.21	2.95	S
206631_at -2.17 S	1.31	0.76	2.91	S
202177_at -2.18 S	-1.15	-0.13	4.91	S
211535_s_at -2.18 S	-0.21	-0.91	4.86	S
207134_x_at -2.18	1.71	-0.4	3.78	S
218345_at -2.18	0.86	0.48	3.55	S
209427_at -2.18 S	0.57	-0.2	3.48	S
220108_at -2.18 S	-0.74	1.46	3.37	S
202554_s_at -2.18	1.63	-0.82	2.95	S
202915_s_at -2.18	0.37	1.72	2.82	S
203811_s_at -2.19	0.23	1.52	2.9	S
210417_s_at -2.19	0.74	0.65	2.87	S
206434_at -2.19	0.7	0.53	2.87	S
200932_s_at -2.19	-0.07	2.23	2.82	S

202404_s_at	0.84	0.12	2.97	
-2.2				S
S				
219416_at	-0.54	0.12	4.06	
-2.21				S
S				
202269_x_at	0.4	-0.002048764	3.48	
-2.21				S
S				
204753_s_at	0.76	0.2	3.45	
-2.21				S
S				
200671_s_at	0.59	1.32	2.9	
-2.21				S
202920_at	0.7	0.8	2.9	-2
.21		S		S
213176_s_at	1.57	0.45	2.9	
-2.21				S
211555_s_at	-0.29	2.23	2.82	
-2.21				S
213170_at	2.29	-0.62	2.53	
-2.21				S
202465_at	0.96	0.35	3.8	
-2.22				S
S				
222043_at	-0.7	0.52	3.55	
-2.22				S
S				
204938_s_at	0.58	0.52	3.33	
-2.22				S
S				
201093_x_at	0.32	1.65	3.26	
-2.22				S
210079_x_at	1.26	0.03	3.18	
-2.22				S
205782_at	0.56	0.75	3.02	
-2.22				S
214449_s_at	1.24	0.8	2.82	
-2.22				S
212865_s_at	0.74	-0.32	4.6	
-2.23				S

S				
200836_s_at	-0.34	1.52		4.31
-2.23			S	
204135_at	0.9	0.09		3.98
-2.23			S	
S				
219815_at	0.54	0.54		3.77
-2.23			S	
211954_s_at	0.32	1.83		2.93
-2.23			S	
209402_s_at	1.1	-0.7		3.99
-2.24			S	
215711_s_at	-0.2	1.89		3.36
-2.24			S	
207839_s_at	0.72	1.06		3.02
-2.24			S	
203698_s_at	1.43	1.39		2.94
-2.24			S	
S				
221676_s_at	-0.05	0.92		3.7
-2.25			S	
S				
221903_s_at	0.26	0.95		3.46
-2.25			S	
203812_at	0.01	0.72		3.32
-2.25			S	
200930_s_at	1.06	0.67		3.05
-2.25			S	
S				
202995_s_at	1.03	-0.94		4.67
-2.26			S	
212977_at	0.05	1.04		3.93
-2.26			S	
S				
213519_s_at	1.2	0.37		3.47
-2.26			S	
S				
207124_s_at	1.27	0.37		3.18
-2.26			S	
202825_at	0.69	0.97		3.04

-2.26			S	
212937_s_at	0.72	1.15		2.85
-2.26			S	
S				
206117_at	-0.11	0.76		2.5
-2.26			S	
S				
200015_s_at	1.24	-0.23		4.85
-2.27			S	
204570_at	0.12	-0.6		4.55
-2.27			S	
S				
208146_s_at	0.65	0.94		3.9
-2.27			S	
202388_at	0.92	0.73		3.85
-2.27			S	
S				
209443_at	0.51	0.98		3.54
-2.27			S	
213994_s_at	1.75	0.81		3.03
-2.27			S	
214496_x_at	2.23	0.11		2.86
-2.27			S	
213710_s_at	0.78	0.61		2.85
-2.27			S	
206377_at	1.76	1.17		2.57
-2.27			S	
S				
213290_at	-0.36	0.33		4.68
-2.28			S	
S				
201560_at	0.73	0.54		4.31
-2.28			S	
S				
212091_s_at	0.2	-0.22		3.99
-2.28			S	
S				
214500_at	1.85	0.69		2.58
-2.28			S	
201008_s_at	1.64	0.35		3.25
-2.29			S	

211536_x_at -2.29	1.99	0.63	S	2.74
203851_at -2.3 S	-0.65	-0.01	S	4.98
203662_s_at -2.3 S	-1.31	1.53	S	4.61
208791_at -2.3 S	0.39	-0.55	S	4.03
202564_x_at -2.3	-0.49	1.08	S	3.87
218309_at -2.3 S	0.99	0.74	S	3.17
217525_at -2.3	1.26	0.72	S	2.68
202222_s_at -2.31 S	-0.11	-1.79	S	5.5
208627_s_at -2.31	-0.73	2.47	S	4.04
210829_s_at -2.31	0.72	0.61	S	3.33
209981_at -2.31	1.21	0.54	S	3.33
221276_s_at -2.31	-0.67	1.54	S	3.27
211989_at -2.31	0.36	2.23	S	2.96
201211_s_at -2.31	0.87	1.96	S	2.86
211537_x_at -2.31	1.76	0.84	S	2.67
209118_s_at -2.32 S	0.36	-0.34	S	5.5
203766_s_at -2.32	-0.31	-0.61	S	4.68

S				
212647_at	1.27	-1.1		3.62
-2.32			S	
S				
216733_s_at	0.86	0.08		3.52
-2.32			S	
S				
204038_s_at	1.27	-0.39		3.29
-2.32			S	
200672_x_at	0.77	1.14		3.24
-2.32			S	
201843_s_at	1.38	0.82		3.44
-2.33			S	
S				
208491_s_at	1.05	0.98		3.39
-2.33			S	
209167_at	2.29	-0.65		3.37
-2.33			S	
221730_at	-0.62	1.58		3.18
-2.33			S	
S				
201495_x_at	1.17	0.33		3.16
-2.33			S	
S				
220419_s_at	1.03	1.5		2.78
-2.33			S	
203986_at	-1.3	2.29		4.22
-2.34			S	
204288_s_at	0.89	0.39		3.71
-2.34			S	
S				
213079_at	0.93	0.83		3.39
-2.34			S	
212119_at	1.92	-1.01		3.36
-2.34			S	
205934_at	1.37	0.94		3.17
-2.34			S	
214643_x_at	0.68	0.69		3.11
-2.34			S	
218934_s_at	-1.07	1.27		4.63

-2.35			S	
S				
209297_at	0.72	-0.07		3.74
-2.35			S	
209645_s_at	-0.63	1.33		3.65
-2.35			S	
S				
200665_s_at	1.67	0.91		3.45
-2.35			S	
205382_s_at	1.55	0.21		3.43
-2.35			S	
201198_s_at	0.73	1.68		3.23
-2.35			S	
211892_s_at	0.77	1.4		3.06
-2.35			S	
211759_x_at	0.8	1.67		2.9
-2.35			S	
201039_s_at	1.55	1.43		2.69
-2.35			S	
211809_x_at	1.65	0.55		3.02
-2.36			S	
203773_x_at	1.37	1.04		2.98
-2.36			S	
202350_s_at	1.64	-0.55		4.19
-2.37			S	
213139_at	1.62	-0.59		3.69
-2.37			S	
203688_at	0.52	0.75		3.49
-2.37			S	
S				
218709_s_at	1.37	1.1		3.03
-2.37			S	
205683_x_at	1.62	-0.32		4.21
-2.38			S	
209582_s_at	-0.12	1.18		3.73
-2.39			S	

212271_at -2.39	1.07	2.05	S	2.52
211729_x_at -2.4	0.6	1.11	S	3.95
208978_at -2.4	-0.34	2.46	S	3.82
210237_at -2.4	1.27	1.53	S	2.77
211561_x_at -2.4	0.96	1.97	S	2.58
201869_s_at -2.41 S	0.73	0.97	S	3.68
200996_at -2.41	0.27	2.1	S	3.34
221641_s_at -2.41	0.89	1.28	S	3.34
201744_s_at -2.41	1.91	0.5	S	3.3
206458_s_at -2.41	0.02	1.87	S	2.93
214348_at -2.41	0.59	1.86	S	2.86
217949_s_at -2.41	0.96	1.99	S	2.84
200604_s_at -2.41	1.07	2.11	S	2.7
219064_at -2.42 S	0.94	-0.92	S	4.69
202729_s_at -2.42 S	-0.97	0.26	S	4.56
208131_s_at -2.42 S	0.007214542	-0.39	S	4.44
213543_at -2.42	0.77	1.31	S	3.29

204214_s_at -2.42	1.06	1.39	S	2.94
205935_at -2.43 S	0.2	-1.01	S	4.74
206116_s_at -2.43 S	0.86	-0.92	S	4.38
203088_at -2.43 S	-0.69	0.67	S	4.36
210935_s_at -2.43 S	1.26	1.42	S	3.1
212488_at -2.44 S	-0.02	0.41	S	4.27
216840_s_at -2.44 S	0.34	1.16	S	4.26
211562_s_at -2.44 S	0.23	0.75	S	3.75
205407_at -2.44	1.33	1.18	S	3.24
208781_x_at -2.44	1.7	1.03	S	2.54
210896_s_at -2.45 S	-0.37	0.84	S	4.3
217890_s_at -2.45 S	0.33	-0.19	S	4.3
202022_at -2.45	1.67	-0.28	S	3.76
201538_s_at -2.45	0.93	1.3	S	3.36
212272_at -2.45	1.02	1.3	S	3.22
216100_s_at -2.45	1.3	1.17	S	2.79
219201_s_at	1.55	1.19		2.63

(400)

JP 2008-504803 A5 2011.8.18

-2.45			S	
202316_x_at	1.06	2.21		2.59
-2.45			S	
213010_at	-0.62	0.58		4.95
-2.46			S	
S				
203325_s_at	0.43	0.35		4.1
-2.46			S	
S				
202598_at	0.02	0.96		4.04
-2.46			S	
205348_s_at	1.52	0.12		3.79
-2.46			S	
212452_x_at	2.3	0.7		2.87
-2.46			S	
208930_s_at	1.82	2.39		2.74
-2.46			S	
214687_x_at	-0.12	1.21		4.15
-2.47			S	
216205_s_at	1.01	1.09		3.53
-2.47			S	
209526_s_at	1.21	1.01		3.36
-2.47			S	
212572_at	2.01	1.55		2.81
-2.47			S	
211323_s_at	0.47	0.94		3.78
-2.48			S	
S				
203661_s_at	-0.82	1.77		3.76
-2.48			S	
S				
207977_s_at	-0.02	1.45		3.65
-2.48			S	
S				
203197_s_at	0.92	0.81		3.73
-2.49			S	
209655_s_at	-0.25	1.14		3.29
-2.49			S	
S				

205433_at -2.49	0.39	1.79	S	2.96
203909_at -2.49	2.12	0.76	S	2.96
202407_s_at -2.49	1.19	1.73	S	2.6
208811_s_at -2.5	1.06	1.37	S	3.09
215329_s_at -2.5	0.95	1.76	S	3.05
211473_s_at -2.51	1.82	-0.41	S	3.57
201828_x_at -2.52	0.93	-0.51	S	4.17
218831_s_at -2.52	1.53	-0.48	S	3.88
219427_at -2.52	1.76	0.25	S	3.61
33850_at -2.53 S	-0.87	1.38	S	4.51
209883_at -2.53 S	0.37	1.11	S	3.78
221766_s_at -2.53 S	0.92	0.28	S	3.68
218711_s_at -2.53	0.3	1.73	S	3.36
204929_s_at -2.53	1.23	0.51	S	3.33
209365_s_at -2.54	1.13	-0.02	S	3.54
201529_s_at -2.54	1.35	1.53	S	2.75
221502_at -2.55	0.71	0.53	S	4.26

S				
211651_s_at	0.46	1.58		3.23
-2.55			S	
S				
203823_at	0.24	1.64		4.92
-2.56			S	
208792_s_at	0.4	-0.51		4.72
-2.56			S	
S				
200906_s_at	0.13	1.03		3.8
-2.56			S	
S				
219829_at	0.77	0.95		3.63
-2.56			S	
207691_x_at	0.42	1.67		3.31
-2.56			S	
201147_s_at	-0.44	0.41		4.84
-2.58			S	
S				
209583_s_at	0.14	0.96		4.12
-2.58			S	
S				
212851_at	0.46	0.64		3.84
-2.58			S	
220532_s_at	1.83	0.44		3.71
-2.59			S	
201896_s_at	1.63	1.58		3.32
-2.59			S	
208664_s_at	1.57	2.27		2.69
-2.59			S	
202228_s_at	1.61	-1.76		5.15
-2.6			S	
206403_at	2.47	1.11		2.51
-2.61			S	
218667_at	0.6	-0.17		4.85
-2.62			S	
216474_x_at	1.41	-0.19		4.81
-2.62			S	
213894_at	1.26	1.49		2.76

-2.62			S	
218454_at	2.01	-0.57		3.81
-2.63			S	
200835_s_at	1.32	2.2		2.83
-2.63			S	
214172_x_at	1.46	1.32		2.73
-2.63			S	
202073_at	0.64	0.2		4.77
-2.64			S	
S				
209470_s_at	0.34	1.68		3.44
-2.64			S	
S				
209653_at	0.83	2.47		2.95
-2.64			S	
212567_s_at	-1.07	1.11		5.21
-2.65			S	
S				
210089_s_at	1.15	1.37		3.43
-2.65			S	
221217_s_at	1.76	0.83		3.22
-2.65			S	
205620_at	1.33	0.77		4.28
-2.66			S	
204122_at	0.21	2.27		3.75
-2.66			S	
201151_s_at	0.52	1.55		3.36
-2.66			S	
S				
217234_s_at	0.97	2.39		2.91
-2.66			S	
218822_s_at	0.93	2.48		2.64
-2.66			S	
212120_at	1.48	-0.09		4.56
-2.67			S	
203570_at	-0.03	0.45		4.41
-2.67			S	
S				

217023_x_at -2.67	1.78	0.02	S	4.25
203813_s_at -2.67 S	0.86	1.14	S	4.05
209469_at -2.67 S	0.26	1.97	S	3.31
214726_x_at -2.67	2.47	0.42	S	3.09
213904_at -2.67	1.77	0.93	S	2.99
219478_at -2.68 S	0.55	-0.24	S	4.26
202982_s_at -2.68	1.49	1.52	S	2.92
200966_x_at -2.69	-0.000555741	1.45	S	4.42
201842_s_at -2.69 S	1.89	0.45	S	4.23
205438_at -2.69	1.07	2.2	S	3.22
203729_at -2.7 S	0.06	-0.42	S	5.34
205018_s_at -2.7	0.7	1.67	S	3.48
206433_s_at -2.7	1.59	1.48	S	3
213800_at -2.71 S	0.98	0.67	S	4.08
204045_at -2.71	1.21	0.18	S	3.69
205051_s_at -2.71	2.44	-1.57	S	3.59
221695_s_at -2.71	1.1	2.43	S	2.77

(405)

JP 2008-504803 A5 2011.8.18

1598_g_at	-0.04	-0.62	5.16	
-2.72				S
S				
219902_at	1.05	0.43	3.92	
-2.72				S
S				
213446_s_at	2.49	1.07	3.18	
-2.72				S
208848_at	1.73	0.7	3.12	
-2.72				S
212117_at	0.85	0.45	4.09	
-2.74				S
211896_s_at	1.45	0.59	4.75	
-2.75				S
AFFX-HSAC07/X00351_M_at		0.23	-0.8	6.32
-2.76				S
203498_at	-0.2	1.03	4.56	
-2.76				S
S				
221447_s_at	1.51	0.41	4.14	
-2.76				S
209473_at	1.12	1.3	4.08	
-2.77				S
S				
209474_s_at	0.49	1.96	3.58	
-2.77				S
203413_at	1.16	0.58	3.28	
-2.78				S
213434_at	1.1	0.44	4.42	
-2.79				S
202587_s_at	0.64	0.84	3.96	
-2.79				S
S				
212358_at	-0.31	0.78	4.4	
-2.8				S
S				
203886_s_at	1.84	0.86	3.84	
-2.8				S
208430_s_at	0.4	2.01	3.32	
-2.8				S

S					
209687_at	1.48	-0.2		5.05	
-2.81			S		
S					
219679_s_at	1.03	2.43		3.2	
-2.81			S		
201337_s_at	1.6	1.9		3.05	
-2.81			S		
208316_s_at	1.62	2.24		2.76	
-2.81			S		
203186_s_at	1.63	1.16		4.29	
-2.82			S		
S					
204802_at	-0.55	2.18		3.64	
-2.82			S		
208786_s_at	1.98	0.05		3.58	
-2.83			S		
218051_s_at	1.48	1.29		3.22	
-2.83			S		
S					
205430_at	2.44	1.69		3.14	
-2.83			S		
210299_s_at	-0.93	1.28		4.72	
-2.84			S		
S					
204803_s_at	-0.46	1.87		3.79	
-2.84			S		
S					
201930_at	1	2.07		4.83	-2
.85			S		
205573_s_at	2.24	0.11		4.45	
-2.85			S		
219440_at	1.31	0.16		4.36	
-2.85			S		
S					
216689_x_at	1.41	1.64		3.18	
-2.85			S		
206009_at	0.59	1.41		4.16	
-2.86			S		
201311_s_at	1.41	0.99		3.54	
-2.86			S		

208669_s_at -2.86	1.81	2.06	S	3.33
212489_at -2.87 S	0.58	0.96	S	4.12
202069_s_at -2.87	0.77	1.58	S	3.82
202732_at -2.88 S	0.67	0.4	S	4.65
201020_at -2.88 S	0.5	1.47	S	4.18
45714_at -2.88 S	-0.32	2.06	S	4.04
221881_s_at -2.88 S	0.23	2.13	S	3.94
222157_s_at -2.88	1.93	2.26	S	2.59
209685_s_at -2.89 S	1.37	-0.09	S	4.22
210648_x_at -2.89	2.07	0.6	S	3.64
200853_at -2.89	1.09	2.03	S	3.6
208535_x_at -2.89	1.78	1.1	S	3.5
205200_at -2.9 S	1.01	0.52	S	4.81
200712_s_at -2.9	0.78	1.97	S	3.85
207957_s_at -2.9	1.1	0.86	S	3.62
207118_s_at -2.91	1.21	1.37	S	4.03
210084_x_at	2	0.33		4.39

-2.92			S	
217025_s_at	0.07	2.21		3.82
-2.92			S	
209496_at	0.87	-0.33		5.31
-2.93			S	
S				
203562_at	0.85	0.82		5.72
-2.94			S	
200778_s_at	1.19	2.24		3.27
-2.95			S	
204777_s_at	0.24	1.36		4.23
-2.96			S	
S				
206030_at	1.6	1.05		3.25
-2.96			S	
209621_s_at	-0.65	1.74		4.48
-2.97			S	
S				
205240_at	1.53	1.22		3.8
-2.97			S	
204424_s_at	1.57	1.28		4.02
-2.98			S	
S				
210702_s_at	0.85	1.65		3.78
-3			S	
203303_at	1.98	1.6		2.86
-3.01			S	
217066_s_at	1.19	1.25		4.06
-3.02			S	
S				
219770_at	1.4	1.81		3.83
-3.02			S	
219873_at	0.78	1.96		3.72
-3.02			S	
204271_s_at	1.23	1.87		3.24
-3.02			S	
S				
201835_s_at	1.89	2.01		3.06
-3.02			S	

204701_s_at -3.03	0.92	2.13	S	3.08
210156_s_at -3.03	2.04	2.03	S	2.57
204931_at -3.04	1.55	-0.34	S	5.93
201272_at -3.04	1.47	-1.22	S	5.66
208002_s_at -3.04	1.38	2.43	S	3.75
202403_s_at -3.05 S	0.94	-0.45	S	5.13
204273_at -3.05	1.46	1.93	S	3.42
214738_s_at -3.06	0.67	2.49	S	3.88
210734_x_at -3.06	2.03	2.04	S	2.81
210002_at -3.08 S	1.57	1.8	S	3.95
209437_s_at -3.09	1.68	1.32	S	4
202137_s_at -3.09	2.07	2.09	S	3.15
211203_s_at -3.11 S	0.7	1.6	S	3.79
219167_at -3.14 S	0.7	0.81	S	4.71
214040_s_at -3.14 S	0.66	2.21	S	4.16
218344_s_at -3.14	2.32	2.12	S	3.12
201537_s_at -3.15	0.49	1.62	S	5.49

S					
215382_x_at	1.89	0.67		4.94	
-3.15			S		
206701_x_at	1.11	1.98		3.63	
-3.15			S		
S					
211813_x_at	1.72	0.99		5.08	
-3.16			S		
210973_s_at	2.01	1.24		4.09	
-3.18			S		
S					
211871_x_at	1.57	1.85		3.41	
-3.18			S		
205384_at	1.51	-0.05		5.26	
-3.19			S		
S					
201266_at	-0.03	2.4		4.44	
-3.19			S		
S					
201781_s_at	1.79	1.62		2.57	
-3.19			S		
209209_s_at	1.14	1.52		4.24	
-3.22			S		
S					
209406_at	1.1	2.07		4.38	
-3.23			S		
S					
205120_s_at	1.94	0.5		4.18	
-3.23			S		
212843_at	0.41	1.3		4.5	
3.26			S		
S					
213395_at	1.98	1.06		4.01	
-3.26			S		
204556_s_at	1.26	1.11		4.56	
-3.27			S		
209363_s_at	1.78	2.26		2.98	
-3.27			S		
201105_at	1.65	0.39		6.23	
-3.28			S		
S					
201482_at	0.58	0.47		6	-3

.29			S		S
212409_s_at	2.15	0.98		3.8	
-3.3			S		
205648_at	2.21	0.94		3.33	
-3.3			S		
201893_x_at	2.14	0.28		5.29	
-3.31			S		
204059_s_at	1.93	1.09		4.21	
-3.31			S		
201554_x_at	1.69	1.92		3.74	
-3.32			S		
218380_at	1.71	1.1		5.45	
-3.33			S		
S					
208290_s_at	1.81	2.47		2.7	
-3.33			S		
205743_at	2.16	1.38		3.83	
-3.34			S		
S					
219747_at	2.32	0.28		3.6	
-3.36			S		
220634_at	0.88	2.33		4.01	
-3.37			S		
203680_at	2.46	1.31		4	-3
.37			S		S
214720_x_at	2.11	1.66		3.36	
-3.37			S		
207741_x_at	1.71	0.59		5.23	
-3.38			S		
201559_s_at	1.08	2.18		4.28	
-3.4			S		
S					
205431_s_at	2.06	1.87		3.62	
-3.41			S		
212624_s_at	2.03	1.24		4.57	
-3.43			S		
218537_at	0.15	2.39		4.79	
-3.44			S		

202092_s_at -3.44	1.6	1.23	S	4.32
203423_at -3.45	0.81	1.05	S	6.52
201387_s_at -3.45 S	1.57	1.46	S	4.51
200695_at -3.45	1.51	2.44	S	4.29
AFFX-HSAC07/X00351_5_at -3.47 S		0.77		0.69 S 5.91
201539_s_at -3.48 S	0.01	2	S	4.89
204140_at -3.49	1.79	1.32	S	5.99
213001_at -3.51 S	0.67	-0.41	S	5.49
214505_s_at -3.54 S	-0.07	1.98	S	5.06
210298_x_at -3.56 S	-0.02	1.91	S	5.17
217757_at -3.57 S	1.56	-0.4	S	6.44
205575_at -3.59	2.05	2.1	S	3.76
213004_at -3.74 S	1.26	1.42	S	5.09
217897_at -3.75 S	1.95	0.2	S	5.67
219514_at -3.82	1.54	1.91	S	5.37
205752_s_at -3.91	2.15	1.15	S	5.67
220955_x_at	2.26	2.25		4.31

-4.19			S	
215707_s_at	2.2	1.75		5.93
-4.42			S	
S				
201660_at	2.68	2.83		-2.83
-1.09	B	T		
201662_s_at	2.79	3.96		-3.15
-1.56	B	T		
219428_s_at	2.64	3.62		-1.99
-1.63	B	T		
217826_s_at	2.53	2.63		-2.27
-1.71	B	T		
207549_x_at	3.04	2.51		-2.02
-2.05	B	T		
207431_s_at	2.54	3.08		-2
-2.08	B	T		
211574_s_at	3.09	2.56		-1.66
-2.1	B	T		
221449_s_at	2.61	2.9		-0.08
-2.31	B	T		
212241_at	3.04	2.6		-0.57
-2.47	B	T		
200946_x_at	2.52	4.3		-2.23
-2.52	B	T		
209404_s_at	2.55	4.06		-0.21
-3.18	B	T		
220477_s_at	2.77	3.04		0.55
-3.25	B	T		
218439_s_at	2.89	3.15		0.04
-3.46	B	T		
215794_x_at	3.33	5.25		-0.37
-4.26	B	T		
212115_at	-1.01	2.73		-5.69
2.23		T		

203243_s_at 2.19 T	-4.06	4.25	-4.98
215806_x_at 2.03	-1.41	2.72	-5.72
209813_x_at 2	-1.41	2.87	-5.77
216920_s_at 1.96	-1.44	2.67	-5.38
212412_at 1.85 T	-3.46	4.9	-5.06
211144_x_at 1.8 T	-1.43	3.01	-5.34
200644_at 1.73 T	-2.38	3.71	-4.67
222125_s_at 1.56	-1.55	2.53	-4.15
212445_s_at 1.48	-1.47	3.07	-5.01
201479_at 1.46	-1.99	2.58	-3.72
205780_at 1.42	-0.75	2.95	-4.95
217912_at 1.41	-2.31	3.98	-4.52
218931_at 1.37 T	-2.13	3.48	-3.57
219649_at 1.32	-1.63	3.49	-4.04
201013_s_at 1.28 T	-2.59	3.57	-3.19
207260_at 1.28	-1.52	2.67	-4.12
200971_s_at 1.27	-0.09	3.26	-5.2

218388_at 1.23	-0.77	T	2.53	-3.94
202655_at 1.21	-0.7	T	2.73	-4.23
222212_s_at 1.2	-1.5	T	2.71	-3.18
213280_at 1.2	-2.03	T	2.6	-3.24
211596_s_at 1.2 T	-2.16	T	3.4	-3.99
202605_at 1.18	-1.72	T	2.64	-3.81
218647_s_at 1.17	-2.23	T	2.86	-2.39
200715_x_at 1.17	-1.01	T	2.51	-3.62
219360_s_at 1.15 T	-3.32	T	4.31	-4.02
204875_s_at 1.12 T	-1.83	T	3	-3.47
219395_at 1.1	-1.81	T	2.5	-2.81
206858_s_at 1.06 T	-3.03	T	4.38	-2.52
221732_at 1.06	-0.28	T	3.03	-4.82
218198_at 1.05	-1.17	T	2.64	-3.71
46323_at 0.96	-0.002927771	T	3.25	-5.07
212118_at 0.95	-2.32	T	2.98	-1.98
213143_at	-1.98		2.74	-2.93

0.94		T		
T				
202395_at	-1.66		2.79	-3.13
0.94		T		
210243_s_at	-1.13		3.19	-3.72
0.91		T		
203196_at	-1.36		4.98	-6.39
0.9		T		
T				
201909_at	-1.65		2.77	-2.02
0.89		T		
200790_at	-1.47		2.67	-2.62
0.88		T		
T				
218684_at	-1.41		2.81	-3.06
0.82		T		
218313_s_at	-1.56		4.26	-4.9
0.82		T		
T				
200055_at	-0.72		2.82	-3.11
0.81		T		
209114_at	-0.41		3.14	-4.09
0.8		T		
201892_s_at	-2.52		3.03	-2.45
0.77		T		
T				
209806_at	-0.08		3.01	-4.36
0.75		T		
209265_s_at	-1.48		2.99	-2.68
0.73		T		
201736_s_at	-1.44		3.25	-2.79
0.73		T		
219521_at	-2.03		3.6	-2.04
0.7		T		
217850_at	-0.85		3.71	-3.61
0.7		T		
211036_x_at	-1.19		2.84	-2.79
0.69		T		

203908_at	-0.65	3.06	-4.11
0.69			
T		T	
216251_s_at	-1.26	3.52	-3.44
0.68			
		T	
217736_s_at	-0.94	2.99	-4.76
0.66			
		T	
39817_s_at	-1.95	2.94	-2.23
0.65			
		T	
202836_s_at	-0.47	2.75	-3.34
0.65			
		T	
217771_at	-1.78	3.46	-3.73
0.65			
T		T	
202005_at	-1.12	4.36	-3.74
0.65			
		T	
202670_at	-1.11	3.06	-2.75
0.64			
		T	
201587_s_at	-2.22	3.03	-1.32
0.63			
		T	
221539_at	-1.88	2.68	-1.73
0.63			
		T	
201839_s_at	-1.38	4.43	-4.28
0.63			
T		T	
217803_at	-0.41	3.46	-4.42
0.61			
		T	
214271_x_at	-1.8	2.82	-1.81
0.58			
		T	
201341_at	-2.02	2.51	-1.91
0.58			
		T	
214167_s_at	-0.62	2.78	-2.83
0.55			
		T	
216905_s_at	-0.78	3.26	-2.94
0.54			
		T	
218427_at	-1.5	3.16	-2.4
0.53			
		T	

205294_at 0.53	-1.55	T	2.83	-2.51
221923_s_at 0.53	-1.51	T	3.62	-3.23
218001_at 0.52	-1.34	T	2.53	-2.17
202893_at 0.52	-0.15	T	2.84	-4.31
208801_at 0.5	-1.26	T	2.66	-1.87
217827_s_at 0.5	-1.7	T	3.44	-2.28
201219_at 0.5	-1.46	T	2.73	-2.42
204141_at 0.49 T	-3.78	T	3.75	-1.33
203663_s_at 0.48	-0.84	T	3.29	-3.12
203139_at 0.47 T	-2.28	T	2.94	-1.96
200970_s_at 0.47	1.07	T	2.69	-4.56
213288_at 0.46	0.84	T	2.56	-4.45
212252_at 0.45 T	-1.89	T	3	-2.36
202722_s_at 0.45	0.67	T	2.82	-4.3
209545_s_at 0.44	-1.86	T	3.34	-2.34
201079_at 0.44	0.03	T	4.9	-4.49
217746_s_at	-0.49		2.74	-2.85

0.43		T		
218455_at	-2.06		2.68	-0.66
0.42		T		
212127_at	-1.3		2.79	-1.9
0.42		T		
203739_at	-1.15		3.09	-3.16
0.41		T		
T				
218865_at	0.46		3.06	-4.89
0.4		T		
221424_s_at	-2.07		3.18	-1.73
0.38		T		
T				
218261_at	0.35		2.72	-3.31
0.38		T		
205505_at	-1.63		3.72	-2.72
0.37		T		
T				
200910_at	-1.55		2.78	-1.9
0.36		T		
200968_s_at	-0.67		2.54	-2.14
0.36		T		
209623_at	-1.05		3.24	-3.31
0.36		T		
T				
205776_at	-1.65		3.39	-3.02
0.34		T		
T				
202890_at	0.85		2.54	-4.14
0.34		T		
218188_s_at	-0.5		2.5	-2.5
0.33		T		
219584_at	-2.34		2.61	-1.28
0.32		T		
T				
201723_s_at	-0.78		2.64	-2.21
0.32		T		
203953_s_at	-0.8		3.13	-2.76
0.32		T		
T				

213506_at	-1.27	3.27	-3.33
0.31	T		
T			
222067_x_at	0.62	2.53	-3.72
0.29	T		
208658_at	0.79	2.6	-3.92
0.29	T		
220933_s_at	-0.03	2.92	-4.97
0.29	T		
219809_at	-0.47	2.87	-2.62
0.28	T		
212218_s_at	-0.5	2.59	-2.93
0.28	T		
200098_s_at	-1.35	4.29	-2.69
0.27	T		
221865_at	-0.47	2.85	-2.79
0.27	T		
210547_x_at	-0.06	3.65	-4.23
0.26	T		
213148_at	-2.45	3.18	-1.89
0.25	T		
T			
212640_at	0.29	3.11	-5.25
0.25	T		
218961_s_at	-1.02	3.13	-1.99
0.22	T		
216305_s_at	-0.45	2.65	-2.66
0.21	T		
200863_s_at	-0.21	3.08	-3.07
0.2	T		
204169_at	-0.55	2.88	-2.02
0.17	T		
208737_at	1.32	2.74	-4.14
0.17	T		
201416_at	-1.45	2.99	-1.47
0.16	T		

T			
219041_s_at	-0.78	2.72	-2.59
0.16		T	
218151_x_at	-1.92	2.92	-0.73
0.15		T	
213600_at	-0.17	3.07	-3.15
0.15		T	
216074_x_at	-0.64	2.54	-2.3
0.14		T	
221027_s_at	0.12	2.58	-3.41
0.14		T	
211576_s_at	-2.15	4.33	-2.24
0.13		T	
T			
204567_s_at	-0.46	2.55	-2.71
0.13		T	
214598_at	-0.91	2.92	-3.05
0.13		T	
T			
215380_s_at	-1	3.23	-3.26
0.13		T	
201074_at	-0.63	2.51	-2.02
0.12		T	
214789_x_at	0.31	2.97	-3.71
0.12		T	
219405_at	-0.43	3.26	-3.95
0.12		T	
200068_s_at	-0.06	2.77	-2.38
0.11		T	
201940_at	-0.37	3.05	-2.26
0.09		T	
201516_at	-1.86	2.65	-0.54
0.08		T	
217748_at	-0.69	3.39	-2.69
0.08		T	
200843_s_at	-2.06	3.11	-0.03

0.07		T		
212539_at	-1.79		2.91	-0.54
0.07		T		
203524_s_at	0.27		2.74	-2.79
0.07		T		
202148_s_at	-1.19		4.75	-3.53
0.07		T		
218792_s_at	-0.27		3.42	-3.13
0.05		T		
217979_at	0.13		4.54	-3.93
0.05		T		
212434_at	-1.97		2.59	0.04
0.03		T		
218922_s_at	0.22		3.24	-3.12
0.03		T		
204853_at	-1.28		3.4	-0.82
0.01		T		
205769_at	-0.03		2.84	-2.78
0.01		T		
209302_at	-0.22		2.71	-2.82
0.01		T		
45526_g_at	-1.23		2.98	-0.93
0.004610029		T		
209665_at	0.53		3.66	-3.41
0.003695652		T		
208815_x_at	-1.14		2.94	-0.52
-0.001191754		T		
206558_at	-2.04		4.2	-2.84
-0.008287169		T		
T				
213607_x_at	-0.14		2.89	-2.47
-0.01		T		
206429_at	-0.97		2.58	-2.73
-0.01		T		

202769_at -0.01	0.47	2.74	-4.01
		T	
202105_at -0.02	-0.7	2.65	-1.31
		T	
218882_s_at -0.02	-1.46	2.79	-1.37
		T	
208764_s_at -0.02	-0.17	2.75	-2.08
		T	
218140_x_at -0.02	-0.27	2.61	-2.22
		T	
217970_s_at -0.03	-0.27	2.52	-1.89
		T	
212826_s_at -0.04	-2.61	3.52	-0.5
		T	
208579_x_at -0.04	-0.03	3.25	-2.96
		T	
221941_at -0.05	-0.69	3.02	-2.19
		T	
209825_s_at -0.05 T	-1.6	4.86	-3.04
		T	
211715_s_at -0.05	0.42	2.9	-3.13
		T	
201900_s_at -0.06	1.31	2.85	-3.53
		T	
204391_x_at -0.06	0.82	2.71	-3.76
		T	
213996_at -0.07	-1.17	3.49	-1.62
		T	
212015_x_at -0.08	-0.98	3.21	-0.88
		T	
218275_at -0.08	-0.41	3.28	-2.08
		T	
204973_at -0.08	-1.78	5.17	-3.49
		T	

T				
200852_x_at	0.19	2.68	-2.51	
-0.1		T		
213152_s_at	0.21	3.19	-2.89	
-0.1		T		
219223_at	-0.95	2.95	-1.03	
-0.11		T		
217487_x_at	-0.12	2.54	-2.65	
-0.11		T		
T				
207563_s_at	-1.41	2.76	-0.75	
-0.12		T		
202159_at	-1.02	2.92	-0.98	
-0.12		T		
205698_s_at	-1.34	2.83	-1.28	
-0.12		T		
208722_s_at	-0.007295949	2.91	-2.36	
-0.12		T		
211971_s_at	-0.84	3.1	-1.45	
-0.13		T		
203138_at	-0.38	2.75	-1.58	
-0.13		T		
203430_at	0.84	3.35	-3.86	
-0.13		T		
201689_s_at	1.37	3.41	-5.36	
-0.13		T		
218661_at	-1.23	2.95	-0.54	
-0.14		T		
219217_at	0.3	3.13	-2.62	
-0.16		T		
207949_s_at	-0.09	4.03	-3.22	
-0.16		T		
218194_at	-0.31	2.57	-1.73	
-0.17		T		
209367_at	0.46	2.81	-2.43	

-0.17		T		
217740_x_at	0.3		3.11	-2.66
-0.17		T		
212774_at	-2.35		2.67	0.34
-0.18		T		
203011_at	0.43		2.67	-2.54
-0.18		T		
213811_x_at	-1.06		2.58	-0.65
-0.19		T		
203216_s_at	-0.84		2.92	-1.84
-0.21		T		
T				
221345_at	-0.88		2.75	-1.89
-0.21		T		
220584_at	0.77		3.01	-2.99
-0.21		T		
218789_s_at	-0.33		3.27	-1.83
-0.22		T		
213687_s_at	0.19		2.53	-2.18
-0.22		T		
210023_s_at	0.53		2.64	-2.24
-0.22		T		
201127_s_at	-0.47		3.68	-2.15
-0.23		T		
216804_s_at	-2.58		5.18	-2.18
-0.23		T		
T				
219736_at	-0.81		3.61	-2.83
-0.23		T		
T				
200807_s_at	-1.57		4.7	-2.85
-0.23		T		
212527_at	-0.45		3.48	-1.77
-0.24		T		
204934_s_at	-2.6		5.54	-2.84
-0.24		T		
T				

209100_at -0.25	0.37	2.98	-2.5
	T		
203228_at -0.25	0.36	4.26	-3.04
	T		
218389_s_at -0.26	-0.42	2.55	-1.25
	T		
208527_x_at -0.26	0.32	3.2	-2.78
	T		
200082_s_at -0.27	-0.15	2.65	-1.64
	T		
219518_s_at -0.29	-0.6	3.08	-2.23
	T		
218448_at -0.29	0.74	2.84	-2.73
	T		
200074_s_at -0.3	-0.57	2.63	-0.87
	T		
213843_x_at -0.3	-0.28	2.6	-1.21
	T		
213892_s_at -0.3	-0.28	3.34	-2.67
	T		
208796_s_at -0.31	-0.54	3.29	-1.97
	T		
204319_s_at -0.31	-0.37	3.75	-2.66
	T		
211048_s_at -0.31	0.54	2.99	-3.27
	T		
203641_s_at -0.32	-0.26	2.63	-1.93
	T		
200652_at -0.32	0.26	3.26	-2.28
	T		
209366_x_at -0.32	1.11	2.79	-3.2
	T		
218979_at -0.33	0.62	2.97	-3.29
	T		

212552_at -0.34	-1.91	T	2.64	0.77	
1487_at 0.35	-1.26	T	2.8	0.26	-
222216_s_at -0.35	-0.96	T	2.89	-0.91	
202272_s_at -0.35	-0.91	T	3.07	-0.92	
202599_s_at -0.37	0.08	T	2.64	-1.51	
213947_s_at -0.38	-0.72	T	3.7	-1.47	
218592_s_at -0.38	0.6	T	2.88	-2.91	
219856_at -0.38	0.65	T	3.23	-4.01	
201692_at -0.39	-2.03	T	2.73	0.79	
203576_at -0.39	0.7	T	2.73	-1.96	
221799_at -0.4	-2.02	T	2.64	0.5	
214983_at -0.4	-0.13	T	2.55	-1.11	
208675_s_at -0.4	-0.98	T	3.09	-1.28	
203911_at -0.4	-0.66	T	4.9	-2.72	
202061_s_at -0.41 T	-0.59	T	3.31	-1.92	
203517_at -0.41	1.33	T	2.55	-2.62	
209433_s_at -0.42	-1.01	T	2.62	-0.33	

204942_s_at -0.42 T	-1.25	2.98	-0.95
219312_s_at -0.42 T	-0.94	3.45	-1.88
215438_x_at -0.42 T	-1.03	4.99	-2.09
209695_at -0.43 T	-3.42	3.06	1.27
205937_at -0.43 T	-1.62	4.02	-0.98
205003_at -0.43 T	-1.13	2.85	-1.09
212316_at -0.43 T	0.01	3.06	-1.71
209113_s_at -0.43 T	0.37	2.84	-2.22
216483_s_at -0.43 T	1.63	2.69	-3.4
201582_at -0.43 T	0.74	3.32	-3.53
207980_s_at -0.44 T	-1.49	2.7	-0.03
212563_at -0.44 T	-1.39	3.34	-0.47
217908_s_at -0.44 T	-0.15	3.23	-1.78
218112_at -0.44 T	0.55	3.01	-2.48
200929_at -0.44 T	1.17	2.63	-2.7
219874_at -0.46 T	-0.58	2.6	-0.74
219215_s_at	-0.9	3.12	-0.53

-0.47		T		
202606_s_at	-0.43		2.53	-0.91
-0.47		T		
201115_at	-1.55		3.54	-1.07
-0.47		T		
209504_s_at	-0.63		3.26	-2.44
-0.47		T		
212740_at	-0.83		2.69	-0.14
-0.49		T		
201218_at	-0.68		2.69	-0.41
-0.49		T		
217868_s_at	1.4		2.55	-2.94
-0.49		T		
201761_at	-2.09		4.27	-0.71
-0.5		T		
T				
218110_at	0.35		2.52	-1.34
-0.5		T		
206949_s_at	-0.4		3.6	-2.06
-0.5		T		
213762_x_at	-1.14		2.68	0.43
-0.51		T		
209398_at	0.67		3.11	-3.62
-0.51		T		
207414_s_at	-0.48		3.87	-1.29
-0.52		T		
208837_at	0.5		4.11	-3.51
-0.52		T		
202089_s_at	1.55		2.61	-3.38
-0.53		T		
203148_s_at	-0.26		2.8	-0.97
-0.54		T		
221475_s_at	-0.3		2.74	-1.33
-0.54		T		

(430)**JP 2008-504803 A5 2011.8.18**

61874_at -0.54	0.49	2.65	-1.63
	T		
206502_s_at -0.55	-1.24	2.53	-0.72
	T		
203926_x_at -0.55	-0.21	3.11	-0.93
	T		
212378_at -0.56	-0.14	2.51	-0.69
	T		
211113_s_at -0.56	0.11	2.62	-1.18
	T		
203304_at -0.57 T	-0.34	2.53	-0.91
	T		
212282_at -0.57	1.04	2.6	-2.52
	T		
201583_s_at -0.57	0.84	3.68	-2.96
	T		
208800_at -0.58	-0.54	3.18	-0.47
	T		
218944_at -0.58	0.36	3.02	-1.44
	T		
201760_s_at -0.58	-0.43	3.79	-1.81
	T		
205155_s_at -0.58	0.36	3.22	-1.93
	T		
218016_s_at -0.59	-0.63	4.03	-1.22
	T		
217956_s_at -0.59	2.03	2.5	-3.54
	T		
202418_at -0.6	1.32	2.7	-2.29
	T		
220380_at -0.6	0.86	2.54	-2.29
	T		
207843_x_at -0.6	1.33	3.16	-3.36
	T		

202429_s_at -0.6	0.56	4.19	-3.69	T
203867_s_at -0.61	-0.34	2.8	-0.55	T
204394_at -0.61 T	-1.47	3.73	-2.61	T
204233_s_at -0.61	0.49	2.83	-2.76	T
212652_s_at -0.61	1.53	2.78	-3.41	T
217978_s_at -0.62	-1.14	2.54	0.6	T
215159_s_at -0.62	-0.39	2.7	-0.35	T
219860_at 0.63	1	2.53	-1.75	T
202941_at -0.63	0.03	4.22	-2.15	T
202296_s_at -0.63	1.8	2.51	-2.63	T
220161_s_at -0.63	1.46	3.51	-3.35	T
202427_s_at -0.63	1.89	3.87	-3.95	T
201391_at -0.64	-1.12	3.54	-0.22	T
203242_s_at -0.64 T	-2.1	4.97	-1.67	T
204608_at -0.64	0.89	2.72	-1.91	T
219065_s_at -0.65	-0.51	2.88	-1.1	T
215779_s_at -0.65	0.37	2.71	-1.82	T

40359_at -0.65	1.48	2.92	-2.29
		T	
205645_at -0.65	-2.45	5.05	-2.54
T		T	
218321_x_at -0.65	1.17	2.84	-2.54
		T	
213541_s_at -0.66	-1.15	2.83	-0.4
T		T	
212436_at -0.66	0.23	2.66	-0.96
		T	
209971_x_at -0.66	-1.13	3.86	-1.34
		T	
209391_at -0.66	0.76	2.84	-1.71
		T	
204927_at -0.66	1.07	3.06	-2.13
		T	
202786_at -0.66	0.51	2.91	-2.57
		T	
204744_s_at -0.67	-1.33	2.89	0.47
		T	
202246_s_at -0.67	-0.37	3.08	-0.35
		T	
201848_s_at -0.67	2.45	2.71	-3.36
		T	
212838_at -0.68	-1.28	2.86	0.57
		T	
204066_s_at -0.68	-1.34	3.45	-0.2
		T	
210027_s_at -0.68	-1.17	3.67	-0.57
		T	
218676_s_at -0.68	0.28	3.49	-1.39
		T	
206385_s_at	-0.02	3.23	-1.68

-0.68		T		
217942_at	1.01		3.38	-2.89
-0.68		T		
218582_at	1.82		2.58	-2.92
-0.68		T		
208490_x_at	1.35		3.27	-3.34
-0.68		T		
215482_s_at	-0.16		3.33	-0.98
-0.69		T		
203573_s_at	0.47		2.63	-1.52
-0.69		T		
208523_x_at	0.45		2.86	-1.59
-0.69		T		
201268_at	-1.15		3.88	-0.43
-0.7		T		
219070_s_at	0.35		2.53	-1.16
-0.7		T		
209425_at	-3		6.71	-2.07
-0.7		T		
T				
201735_s_at	0.77		3.63	-3.12
-0.7		T		
203089_s_at	-0.97		2.79	0.36
-0.71		T		
212626_x_at	-0.96		2.8	0.35
-0.71		T		
218982_s_at	-0.63		2.83	-0.39
-0.71		T		
201327_s_at	-0.4		3.04	-0.4
-0.71		T		
218562_s_at	-0.24		2.77	-0.46
-0.71		T		
202217_at	0.29		2.66	-0.91
-0.71		T		

218145_at -0.71	0.11	3.9	-2.6
		T	
37950_at -0.72	-0.71	2.91	-0.11
		T	
220647_s_at -0.72	0.13	2.52	-0.98
		T	
208842_s_at -0.73	-0.01	2.94	-0.69
		T	
202802_at -0.73	0.46	2.74	-1.56
		T	
218500_at -0.73	0.31	3.61	-2.22
		T	
222234_s_at -0.74	-0.1	2.84	-0.78
		T	
220638_s_at -0.74	-0.41	3.11	-0.81
		T	
209104_s_at -0.74	-0.08	2.88	-0.98
		T	
208264_s_at -0.74	0.3	2.53	-1.09
		T	
206103_at -0.74	0.34	2.66	-1.38
		T	
211060_x_at -0.75	-0.51	2.65	0.002848693
		T	
213086_s_at -0.76	-0.42	2.74	0.05
		T	
213041_s_at -0.76	0.07	3.14	-0.7
		T	
214455_at -0.76	0.17	2.9	-1.71
		T	
217871_s_at -0.76	1.4	2.64	-2.37
		T	
201923_at -0.76	0.97	3.95	-4.02
		T	

201339_s_at -0.77	1.08	2.58	-1.65
		T	
203415_at -0.77	0.96	2.94	-1.72
		T	
202740_at -0.77	1.24	3.28	-3.34
		T	
218509_at -0.78	0.31	2.62	-0.68
		T	
211061_s_at -0.78	0.04	3.54	-1.17
		T	
205309_at -0.78 T	-0.97	4.49	-1.76
		T	
203966_s_at -0.78	0.98	4.07	-3.43
		T	
201077_s_at -0.79	0.3	2.9	-1.16
		T	
212449_s_at -0.79	1.46	3.25	-4.56
		T	
211937_at -0.8	-1.54	3.37	0.55
		T	
203208_s_at -0.8	0.24	2.93	-1.19
		T	
212116_at -0.8	-1.28	5.33	-2.37
		T	
203219_s_at -0.8	0.48	3.76	-2.42
		T	
201263_at -0.81	-0.88	3.44	0.06
		T	
202144_s_at -0.81	-0.57	3.21	-0.57
		T	
207824_s_at -0.81	0.9	2.56	-2.05
		T	
205875_s_at	2.16	2.67	-2.91

-0.81		T		
201420_s_at	0.32		2.83	-1.06
-0.82		T		
212396_s_at	0.4		2.59	-1.36
-0.82		T		
222025_s_at	0.38		2.63	-0.57
-0.83		T		
209175_at	0.72		2.69	-1.19
-0.83		T		
201459_at	-1.16		2.97	0.24
-0.84		T		
207618_s_at	-0.02		2.51	-0.22
-0.84		T		
209340_at	-1.71		5.96	-1.91
-0.84		T		
T				
218270_at	-0.14		3.53	-0.73
-0.85		T		
215982_s_at	0.18		3.22	-0.87
-0.85		T		
213011_s_at	-0.65		2.63	0.4
-0.86		T		
219555_s_at	0.69		2.76	-1.26
-0.86		T		
200894_s_at	0.75		3.16	-2.65
-0.86		T		
202978_s_at	0.01		3.09	-0.31
-0.87		T		
201371_s_at	0.2		3.52	-0.84
-0.87		T		
200052_s_at	0.12		3.23	-0.92
-0.88		T		
202138_x_at	-0.47		3.74	-1.45
-0.89		T		

201098_at -0.89	1.71	2.96	-2.19
		T	
218218_at -0.89	1.8	2.51	-2.46
		T	
202770_s_at -0.89	1.4	4.06	-3.26
		T	
203931_s_at -0.91	-1.1	4.39	-1.09
		T	
215300_s_at -0.92	-0.4	2.64	-0.006461962
		T	
58696_at -0.92	0.07	3.07	-0.53
		T	
212432_at -0.93	-1.2	3.13	0.98
		T	
205245_at -0.93	-0.53	2.51	0.47
		T	
204133_at -0.93	-0.12	2.64	0.12
		T	
209323_at -0.94	-0.54	3.02	-0.3
		T	
220768_s_at -0.94	0.12	3.32	-0.8
		T	
202161_at -0.95	-0.79	2.97	0.71
		T	
208917_x_at -0.95	-0.25	2.95	0.1
		T	
210317_s_at -0.95	0.02	2.85	-0.66
		T	
212056_at -0.96	-0.54	2.62	1.07
		T	
208756_at -0.96	0.41	3.03	-1.05
		T	
209872_s_at -0.96	0.83	2.73	-1.08
		T	

204031_s_at -0.97	-1.53	T	3.12	1.67
205512_s_at -0.97	0.21	T	2.96	-0.69
202812_at -0.97	0.28	T	2.9	-0.93
200823_x_at -0.97	0.47	T	2.89	-0.95
220587_s_at -0.97	0.05	T	3.76	-0.99
205566_at -0.97	0.11	T	2.9	-2.88
204514_at -0.98	-1.07	T	2.99	1.14
212902_at -0.98	0.07	T	2.98	-0.6
217910_x_at -0.98	0.65	T	2.66	-1.22
201376_s_at -0.99	0.02	T	3.18	-0.55
201417_at -0.99 T	-1.02	T	4.35	-0.69
218008_at -0.99	-0.65	T	4.12	-0.71
208968_s_at -0.99	0.94	T	2.59	-0.99
220926_s_at -0.99	0.19	T	2.73	-1.21
201548_s_at -1	-0.64	T	3.56	0.38
65588_at -1	-0.42	T	2.59	0.17
215023_s_at -1	0.85	T	2.87	-1.17

221882_s_at -1	0.92	T	2.87	-1.44
217870_s_at -1	0.53	T	3.51	-1.57
201961_s_at -1	1.43	T	3.02	-1.99
209147_s_at -1	1.88	T	2.78	-2.14
208985_s_at -1.01	-1.33	T	4.18	0.61
202591_s_at -1.01	-0.34	T	2.54	0.53
216602_s_at -1.02	-0.66	T	2.57	0.57
201773_at -1.02	-0.21	T	3.08	0.21
217724_at -1.02	-0.35	T	3.31	0.06
202059_s_at -1.02	0.38	T	2.58	-0.28
221786_at -1.02	0.02	T	3.62	-0.71
209739_s_at -1.02	0.81	T	2.53	-1.32
214946_x_at -1.03	-0.7	T	2.76	0.95
219152_at -1.03	-0.04	T	3.59	-0.85
221620_s_at -1.03	1.75	T	2.51	-1.83
218605_at -1.03	1.18	T	3.06	-2.75
201688_s_at	1.6		3.39	-3.19

-1.03		T		
209338_at	0.08		2.51	0.29
-1.04		T		
201014_s_at	-1.55		5.78	-0.97
-1.04		T		
T				
210480_s_at	-0.21		3.7	-1.04
-1.04		T		
T				
210337_s_at	0.12		4.05	-1.84
-1.04		T		
215690_x_at	0.26		2.79	-0.27
-1.05		T		
200674_s_at	-0.11		3.34	-0.4
-1.05		T		
209696_at	0.44		5.05	-3.2
-1.05		T		
209482_at	1.17		2.77	-1.56
-1.06		T		
208583_x_at	2.18		2.71	-2.8
-1.06		T		
214737_x_at	-0.46		3.19	0.21
-1.07		T		
209424_s_at	-2.85		6.59	-1.19
-1.07		T		
T				
209426_s_at	-3.04		7.04	-1.63
-1.07		T		
T				
203928_x_at	-0.23		3.02	0.25
-1.08		T		
222079_at	-0.26		2.51	-0.04
-1.08		T		
220187_at	-0.74		3.44	-0.16
-1.08		T		
201490_s_at	0.58		2.87	-0.31
-1.08		T		

202012_s_at -1.08	0.36		3.15	-0.33
		T		
209869_at -1.09	-1.36		2.5	1.61
		T		
218695_at -1.09	0.27		3.02	-0.34
		T		
218720_x_at -1.09	1.45		2.67	-1.88
		T		
209681_at -1.1	-1.48		2.7	1.27
		T		
219081_at -1.1	-0.32		2.51	0.84
		T		
214240_at -1.1	-0.29		3.06	-0.22
		T		
213410_at -1.1 T	-0.71		2.94	-0.68
		T		
221586_s_at -1.1	0.49		3.64	-1.63
		T		
218654_s_at -1.1	1.37		2.55	-1.91
		T		
200657_at -1.11	-0.12		3.33	-0.19
		T		
202886_s_at -1.11	0.47		3.1	-0.85
		T		
209421_at -1.12	0.38		2.72	-0.16
		T		
221782_at -1.12	-0.52		3.76	-0.43
		T		
200700_s_at -1.12	-0.32		5.74	-2.03
		T		
65521_at -1.13	-0.25		3.18	0.31
		T		
217301_x_at -1.13	-0.19		3.85	-0.36
		T		

204005_s_at -1.14	-0.57	2.94	0.56
	T		
217266_at -1.14	0.51	2.55	-0.87
	T		
200822_x_at -1.15	-1.7	3.44	1.28
	T		
200889_s_at -1.15	1.14	2.67	-1.32
	T		
203397_s_at -1.15	1.17	4.39	-3.58
	T		
212335_at -1.16	0.08	2.59	0.5
	T		
208591_s_at -1.16	0.24	2.62	-0.05
	T		
32209_at -1.16	-0.09	4.36	-0.83
	T		
213325_at -1.16	0.58	2.87	-0.93
	T		
218458_at -1.16	1.44	3.48	-2.53
	T		
211982_x_at -1.17	-0.97	2.87	0.81
	T		
212085_at -1.17	-1.72	4.26	0.29
	T		
212283_at -1.17	0.31	2.7	0.23
	T		
201947_s_at -1.17	-0.27	4.84	-1.05
	T		
216570_x_at -1.18	0.56	2.7	-0.57
	T		
219913_s_at -1.18	0.98	2.81	-0.89
	T		
201577_at	0.31	3.2	-1.16

-1.18		T		
202738_s_at	1.55		2.54	-1.33
-1.18		T		
204212_at	1.43		2.79	-1.71
-1.18		T		
219121_s_at	0.72		4.02	-2.57
-1.18		T		
209850_s_at	-1.78		2.78	2.28
-1.19		T		
210076_x_at	-0.67		2.65	1.73
-1.19		T		
204117_at	-1.33		4	0.59
1.19		T		-
200024_at	0.83		2.7	-0.81
-1.19		T		
208687_x_at	0.32		3.25	-0.35
-1.2		T		
212461_at	0.72		2.82	-0.68
-1.2		T		
213492_at	0.09		2.5	-0.72
-1.2		T		
T				
209440_at	0.54		3.24	-0.88
-1.2		T		
204331_s_at	0.44		3.27	-0.98
-1.2		T		
204426_at	1.16		2.5	-1.32
-1.2		T		
218529_at	1.16		2.96	-1.65
-1.2		T		
208650_s_at	2.04		2.56	-1.95
-1.2		T		
201284_s_at	2.17		3.5	-3.84
-1.2		T		
202534_x_at	-0.3		2.85	0.3

-1.21		T		
200627_at	0.39		3.17	-0.11
-1.21		T		
218653_at	0.5		3.16	-0.81
-1.21		T		
218855_at	0.1		3.25	0.13
-1.22		T		
210087_s_at	0.62		3.75	-1.28
-1.22		T		
218375_at	0.6		3.82	-1.43
-1.22		T		
208654_s_at	1.89		2.67	-2.37
-1.22		T		
204448_s_at	0.08		2.74	-0.08
-1.23		T		
212391_x_at	1.18		2.99	-0.75
-1.23		T		
202457_s_at	0.89		4.7	-2.84
-1.23		T		
208778_s_at	-1.3		4.54	0.27
-1.24		T		
211765_x_at	0.12		3.55	-0.27
-1.24		T		
207121_s_at	-0.28		3.06	-0.29
-1.24		T		
212832_s_at	-0.72		3.14	1.47
-1.25		T		
201932_at	-0.58		2.74	1.05
-1.25		T		
213476_x_at	-0.8		3.43	0.87
-1.25		T		
202095_s_at	-0.28		2.56	0.52
-1.25		T		

206075_s_at -1.25	-0.09	2.72	0.44
		T	
212680_x_at -1.25	-1.74	6.25	-0.49
T		T	
203557_s_at -1.25	0.94	3.52	-1.67
		T	
218025_s_at -1.25	1.19	3.84	-1.75
		T	
203284_s_at -1.26	-1.08	2.6	1.17
		T	
202543_s_at -1.26	0.87	2.52	-0.63
		T	
211939_x_at -1.27	-0.44	3.03	1.09
		T	
216641_s_at -1.27	-0.2	2.54	0.77
		T	
221648_s_at -1.27	0.42	2.51	-0.43
		T	
214484_s_at -1.28	-0.06	2.76	0.26
		T	
218580_x_at -1.28	0.27	2.52	0.15
		T	
210787_s_at -1.28	-0.48	3.27	-0.14
T		T	
208909_at -1.28	0.3	3.19	-0.31
		T	
214501_s_at -1.28	0.96	2.78	-0.76
		T	
211558_s_at -1.28	0.85	3.15	-1.37
		T	
206110_at -1.29	0.21	3.09	-0.83
T		T	
201386_s_at -1.3	-0.05	3.49	0.31
		T	

208910_s_at -1.3	1.15	T	3.32	-1.5	
201614_s_at -1.31	-0.48	T	3.04	0.63	
206173_x_at -1.31	0.52	T	2.54	0.28	
204695_at -1.31	0.68	T	2.68	0.08	
201475_x_at -1.31	0.31	T	2.69	-0.09	
218481_at -1.31	0.06	T	3.51	-0.63	
202799_at .31	0.9	T	2.85	-1	-1
211622_s_at -1.32	-0.3	T	3.12	0.82	
221691_x_at -1.32	-0.39	T	3.66	0.41	
201805_at -1.32	0.71	T	2.55	0.000300202	
222132_s_at -1.32	-0.2	T	4.33	-0.05	
205661_s_at -1.32	0.78	T	2.64	-0.55	
207439_s_at -1.32	1.24	T	3.03	-0.72	
212744_at -1.32	1.51	T	2.67	-2.24	
200698_at -1.32	1.21	T	5.44	-3.08	
216623_x_at -1.33	-0.88	T	3.61	-0.12	
202514_at -1.33	0.98	T	2.82	-0.17	

210338_s_at -1.34	0.15	2.93	0.38
		T	
212121_at -1.34	1.27	3.07	-1.18
		T	
220892_s_at -1.34	1.75	2.6	-1.51
		T	
211152_s_at -1.35	-1.33	3.07	1.62
		T	
200812_at -1.35	0.26	2.84	0.51
		T	
205708_s_at -1.35	0.23	2.83	0.48
		T	
210738_s_at -1.35	0.08	2.62	0.02
		T	
208787_at -1.35	0.47	3.58	-0.38
		T	
218046_s_at -1.35	1.36	2.53	-1.1
		T	
209772_s_at -1.35	1.84	2.64	-1.24
		T	
201264_at -1.35	1.53	3.29	-1.72
		T	
201758_at -1.35	1.46	3.18	-1.99
		T	
202480_s_at -1.36	-0.51	2.7	1.37
		T	
206352_s_at -1.36 T	-0.18	3.47	-0.75
		T	
202889_x_at -1.36	1.14	3.93	-1.53
		T	
208700_s_at -1.37	-1.21	3.13	1.88
		T	
210108_at	0.3	2.77	-0.1

-1.37		T		
T				
212330_at	-0.03		4.46	-0.82
-1.37		T		
217007_s_at	0.7		2.84	-0.16
-1.38		T		
212347_x_at	1.27		3.61	-1.87
-1.38		T		
216843_x_at	0.62		2.89	0.11
-1.39		T		
202072_at	0.22		3.17	0.83
-1.4		T		
200750_s_at	-0.16		3.46	0.38
-1.4		T		
203342_at	0.73		2.96	-0.18
-1.4		T		
218584_at	1.58		2.9	-0.52
-1.4		T		
204751_x_at	1.41		3.16	-2.12
-1.4		T		
203218_at	0.44		2.64	0.68
-1.41		T		
220721_at	1.33		2.55	-1.28
-1.41		T		
209785_s_at	-1.43		3.12	1.7
-1.42		T		
201943_s_at	0.17		3.14	0.13
-1.42		T		
35201_at	1.09		2.82	-0.54
-1.42		T		
217725_x_at	-0.52		3.61	0.92
-1.43		T		
201421_s_at	-0.29		3.79	0.51
-1.43		T		

202077_at -1.43	0.48	2.59	0.17
		T	
218219_s_at -1.43	1.63	2.81	-1.12
		T	
215471_s_at -1.43	1.31	3.61	-1.31
		T	
201075_s_at -1.44	0.09	3.21	0.22
		T	
215108_x_at -1.44	-0.14	2.88	0.1
		T	
202372_at -1.44	0.37	2.74	-0.35
		T	
201912_s_at -1.44	-0.65	5.03	-1.07
T		T	
211378_x_at -1.45	0.57	3.58	-0.32
		T	
213624_at -1.45	1.13	2.53	-0.73
		T	
205110_s_at -1.46	0.25	3.51	-0.05
		T	
217772_s_at -1.46	1.06	3.18	-0.73
		T	
211762_s_at -1.47	-1.5	3.21	1.52
		T	
208828_at -1.47	1.02	2.76	-0.48
		T	
213189_at -1.48	0.69	2.95	0.06
		T	
219376_at -1.48	0.94	2.56	0.005149461
		T	
209188_x_at -1.48	1.32	2.9	-0.49
		T	
217791_s_at -1.48	-0.16	4.24	-0.68
		T	

202487_s_at -1.48	1.36	2.72	-0.85
		T	
202929_s_at -1.48	1.83	3.07	-2.05
		T	
208699_x_at -1.49	-0.81	2.71	1.95
		T	
204227_s_at -1.49	0.45	2.51	0.72
		T	
201872_s_at -1.49	0.12	3.28	0.49
		T	
212088_at -1.49	0.39	2.65	0.36
		T	
219733_s_at -1.49	0.42	2.86	-0.02
		T	
220773_s_at -1.49	0.8	2.95	-0.07
		T	
201816_s_at -1.49	0.79	3.01	-0.27
		T	
38703_at -1.5	0.58	2.51	0.53
		T	
201347_x_at -1.5	1.61	2.6	-0.66
		T	
216397_s_at -1.51	-0.23	2.99	1.04
		T	
211978_x_at -1.51	0.97	3.63	-0.44
		T	
209142_s_at -1.51	1.07	3.12	-0.48
		T	
219075_at -1.51	1.3	2.51	-0.54
		T	
91684_g_at -1.52	0.28	3.35	0.18
		T	
214774_x_at -1.52	-0.46	3.35	-0.05
		T	

210186_s_at -1.52	1.04	T	2.93	-0.2
206303_s_at -1.52	1.54	T	4.22	-2.24
208813_at -1.53	-0.33	T	3.42	1.06
201618_x_at -1.53	0.55	T	3.19	0.16
205942_s_at -1.53	0.82	T	3.19	-0.75
216230_x_at -1.54	1.74	T	2.59	-0.41
202787_s_at -1.54	0.75	T	3.43	-0.72
221247_s_at -1.55	-0.13	T	3.02	1.14
216360_x_at -1.55	0.8	T	2.55	0.54
213115_at -1.55	1.45	T	3.21	-0.76
202741_at -1.56	-0.27	T	2.64	1.49
214170_x_at -1.56	-0.17	T	2.96	1.34
219222_at -1.56	0.28	T	2.81	0.95
202209_at -1.56	0.86	T	2.59	0.28
216525_x_at -1.56	1.45	T	2.68	-0.28
216899_s_at -1.57	0.15	T	2.53	0.96
209644_x_at	0.14		2.84	0.87

-1.57		T		
216274_s_at	0.7		2.81	0.52
-1.57		T		
217786_at	0.87		3.19	-0.43
-1.57		T		
221582_at	-0.01		4.4	-1.92
-1.57		T		
T				
215293_s_at	0.27		2.62	0.77
-1.58		T		
202884_s_at	0.84		2.98	0.2
-1.58		T		
212264_s_at	0.05		2.55	1.25
-1.59		T		
213741_s_at	0.79		2.73	0.54
-1.59		T		
201130_s_at	1.56		2.68	-0.59
-1.6		T		
204123_at	0.9		3.06	-0.84
-1.61		T		
201790_s_at	2.4		2.91	-1.73
-1.62		T		
222209_s_at	2.33		3.68	-2.59
-1.62		T		
205895_s_at	-0.82		3.51	1.8
-1.63		T		
201905_s_at	0.29		2.53	1.27
-1.63		T		
218722_s_at	-0.08		2.81	1.01
-1.63		T		
218888_s_at	0.41		2.66	0.05
-1.63		T		
201524_x_at	1.57		2.97	-1.23
-1.63		T		

219869_s_at -1.64	0.25	3	0.52
	T		
201091_s_at -1.64	1.08	2.71	-0.38
	T		
201576_s_at -1.64	1.83	3.63	-1.13
	T		
202779_s_at -1.65	-0.49	4	0.12
	T		
201293_x_at -1.66	1.38	3.62	-0.56
	T		
218302_at -1.67	0.65	2.66	0.68
	T		
208680_at -1.67	0.65	2.86	0.58
	T		
213292_s_at -1.67	1.04	3.29	-0.71
	T		
213187_x_at -1.68	-0.53	2.77	1.94
	T		
205321_at -1.68	0.59	2.98	0.73
	T		
218834_s_at -1.68	-0.16	4.48	0.19
	T		
209576_at -1.68	1.38	2.83	-0.18
	T		
201345_s_at -1.69	0.2	2.74	1.68
	T		
212656_at -1.69	1.09	3.07	-0.17
	T		
205963_s_at -1.69	0.69	3.8	-0.47
	T		
201903_at -1.7	0.73	2.83	0.57
	T		
206401_s_at -1.71	1.12	2.5	0.74
	T		

203311_s_at -1.71	1	T	3.57	-0.27	
209516_at -1.72	0.63	T	2.56	1.27	
203025_at 1.72	0.7	T	2.7	0.57	-
214264_s_at -1.72	1.15	T	2.53	0.18	
210707_x_at -1.72	1.59	T	2.78	0.05	
219063_at -1.73	0.87	T	2.76	0.62	
218557_at -1.73	1.53	T	2.7	-0.95	
210291_s_at -1.74	0.18	T	2.83	1.41	
205047_s_at -1.74	-0.38	T	3.65	0.89	
204003_s_at -1.74	2.04	T	2.61	-0.74	
212661_x_at -1.74	1.88	T	3.49	-0.87	
201520_s_at -1.74	0.91	T	5.31	-1.82	
218516_s_at -1.75	1.16	T	2.6	0.4	
201977_s_at -1.75	2.1	T	2.65	-0.76	
205687_at -1.75	1.28	T	4.1	-1.2	
209372_x_at -1.76	-1.13	T	3.9	1.36	
202906_s_at -1.76	0.64	T	2.62	1.01	

222121_at -1.76	0.19	T	3.6	-0.19
210541_s_at -1.76	0.43	T	4.39	-1.22
200755_s_at -1.78	-0.25	T	2.79	1.62
216583_x_at -1.79	0.59	T	3.45	0.41
221962_s_at -1.79	0.36	T	3.3	0.36
201435_s_at -1.79	1.36	T	3.09	0.12
218027_at -1.79	0.68	T	3.83	-0.57
208941_s_at -1.79	1.41	T	3.57	-0.71
204713_s_at -1.8	0.27	T	2.75	1.22
208799_at -1.8	1.31	T	3.39	-0.74
214463_x_at -1.8	1.44	T	3.12	-1.13
218460_at -1.81	0.54	T	2.78	0.86
202697_at -1.81	0.68	T	3.4	0.51
208698_s_at -1.82	-0.22	T	3.75	1.35
200877_at -1.82	0.93	T	2.97	0.37
210783_x_at -1.83	1.34	T	2.51	0.78
207348_s_at	0.93		2.55	0.59

-1.83		T		
218494_s_at	1.22		2.7	0.51
-1.83		T		
207654_x_at	1.45		3.33	-0.14
-1.83		T		
215660_s_at	0.94		2.56	1.24
-1.84		T		
202736_s_at	0.9		3.08	0.18
-1.84		T		
222001_x_at	-0.34		4.03	0.08
-1.84		T		
218083_at	0.5		3.06	1.17
-1.85		T		
203109_at	0.58		2.71	1.14
-1.85		T		
204170_s_at	0.71		2.7	-0.02
-1.85		T		
203007_x_at	1.8		3.63	-2.37
-1.85		T		
208517_x_at	-0.02		3.69	1.5
-1.86		T		
201664_at	0.88		2.53	1.34
-1.86		T		
200638_s_at	0.7		2.79	1.27
-1.86		T		
208580_x_at	1.34		2.99	-0.76
-1.86		T		
208642_s_at	-0.16		3.3	1.52
-1.87		T		
221450_x_at	1.1		2.67	0.93
-1.87		T		
201942_s_at	0.53		3.18	0.75
-1.87		T		

(457)

JP 2008-504803 A5 2011.8.18

201619_at -1.87	1.9	3.69	-1.51
	T		
214582_at -1.88	0.52	3.52	-0.07
	T		
202346_at -1.88	1.26	3.73	-0.74
	T		
217499_x_at -1.89	1.39	3.02	-0.19
	T		
202721_s_at -1.89	1.11	4.78	-1.21
	T		
206396_at -1.9	0.41	2.65	1.51
	T		
215489_x_at -1.9	0.02	3.42	1.25
	T		
220807_at -1.91	1.47	2.5	0.54
	T		
217785_s_at -1.91	1.48	2.9	0.33
	T		
208967_s_at -1.91	1.03	3.11	-0.02
	T		
201772_at -1.91	1.63	2.78	-0.78
	T		
219051_x_at -1.92	0.71	2.88	1.1
	T		
203293_s_at -1.92	1.41	2.6	0.63
	T		
202033_s_at -1.92	1.25	2.76	0.61
	T		
208852_s_at -1.92	0.44	4.3	0.01
	T		
210470_x_at -1.93	-0.004555792	3.92	1.21
	T		
207802_at -1.93	0.91	2.65	0.73
	T		

T				
201485_s_at	2.02		2.84	-0.89
-1.94		T		
219203_at	1.82		2.6	-0.89
-1.94		T		
209036_s_at	-0.13		5.12	-0.27
-1.95		T		
201351_s_at	1.24		2.52	0.96
-1.96		T		
209624_s_at	0.64		4.24	-1.16
-1.96		T		
T				
217140_s_at	0.25		3.41	1.63
-1.97		T		
205219_s_at	0.9		3.04	0.94
-1.97		T		
211658_at	1.99		3.3	-0.74
-1.97		T		
201001_s_at	0.96		2.84	1.12
-1.98		T		
207507_s_at	0.96		2.99	0.54
-1.98		T		
203033_x_at	-0.79		4.23	1.91
-1.99		T		
202261_at	0.11		3.12	1.69
-2		T		
200987_x_at	0.8		2.74	1.51
-2.01		T		
208016_s_at	0.9		2.81	1.18
-2.01		T		
210830_s_at	1.07		3.04	0.67
-2.01		T		
202064_s_at	0.27		3.33	-0.07
-2.01		T		
T				
213875_x_at	1.16		2.79	1.24
-2.02		T		

212720_at -2.02	1.14	T	2.62	1.23
217989_at -2.02	-0.28	T	3.91	0.97
201512_s_at -2.02	0.45	T	3.88	0.59
214446_at -2.02	0.62	T	3.59	-0.1
201931_at -2.02	1.36	T	3.06	-0.2
200624_s_at -2.03	1.35	T	3.25	0.89
218226_s_at -2.03	1.15	T	3.18	0.69
219419_at -2.04	-0.31	T	3.48	1.9
209837_at -2.04	1.31	T	2.81	0.57
200723_s_at -2.04	1.24	T	3.44	0.42
203105_s_at -2.05	1.15	T	2.8	1.27
205711_x_at -2.05	1.79	T	2.67	0.5
208840_s_at -2.05	1.24	T	3.68	-0.18
200903_s_at -2.05	1.69	T	4.18	-1.68
219366_at -2.06	0.71	T	3.24	0.95
218788_s_at -2.06	0.11	T	3.94	0.35
211559_s_at	2.08		4.53	-1.61

-2.06		T		
200622_x_at	0.83		2.79	1.12
-2.07		T		
213366_x_at	1.43		2.73	0.73
-2.07		T		
218327_s_at	0.93		3.49	0.39
-2.07		T		
208905_at	0.1		3.64	1.19
-2.08		T		
213289_at	1.24		2.99	0.95
-2.08		T		
218160_at	1.55		3.14	0.29
-2.09		T		
200739_s_at	2.34		3.09	-0.87
-2.09		T		
208867_s_at	0.58		3.17	1.93
-2.1		T		
209853_s_at	1.12		2.96	1.32
-2.1		T		
206099_at	1.22		3.08	0.81
-2.1		T		
219438_at	0.29		2.91	0.44
-2.1		T		
209822_s_at	0.85		2.6	1.39
-2.12		T		
211708_s_at	2.37		2.53	0.38
-2.12		T		
206351_s_at	0.77		3.65	0.12
-2.12		T		
201543_s_at	1.26		3.44	-0.63
-2.12		T		
204427_s_at	1.97		3.19	-1.1
-2.12		T		

217770_at -2.13	0.74	T	2.5	1.93
210594_x_at -2.13	1.46	T	3.97	-0.3
205329_s_at -2.13	2.33	T	2.63	-0.65
201629_s_at -2.14	1.08	T	3.43	0.77
203093_s_at -2.15	0.58	T	2.56	1.5
221000_s_at -2.15	1.71	T	2.82	0.16
203099_s_at -2.16	0.11	T	3.25	2.13
214431_at -2.16	-0.36	T	3.43	1.58
208721_s_at -2.16	1.24	T	2.85	0.53
210250_x_at -2.16	0.83	T	4.04	0.11
201467_s_at -2.17	0.31	T	2.82	2.19
209870_s_at -2.17	0.47	T	3.3	1.63
212009_s_at -2.18	0.93	T	2.51	2.02
202583_s_at -2.18	0.91	T	3.57	1.29
212694_s_at -2.18	1.58	T	3.98	-0.54
208853_s_at -2.19	0.86	T	3.53	0.9
214310_s_at -2.19	0.94	T	3.3	0.87

208310_s_at -2.19	1.12	T	3.32	0.83
211949_s_at -2.2	0.34	T	2.72	2.14
200770_s_at -2.2	-0.44	T	3.3	2.02
209405_s_at -2.2	1.43	T	2.54	1.15
209091_s_at -2.2	0.87	T	3.18	1.06
200693_at -2.2	1.34	T	4.94	-1.42
215236_s_at -2.21	0.21	T	2.65	2.4
219931_s_at -2.21	1.74	T	2.97	-0.15
218209_s_at -2.21	2.19	T	2.52	-0.81
217777_s_at -2.22	1.66	T	2.78	0.41
200803_s_at -2.22	2.35	T	4.16	-1.1
201937_s_at -2.23	0.3	T	3.33	2.28
206686_at -2.23	0.86	T	2.64	1.71
201457_x_at -2.23	0.75	T	3.86	0.84
211450_s_at -2.24	0.17	T	2.87	2.19
217782_s_at -2.24	1.51	T	3.05	0.19
203207_s_at -2.24	1.32	T	3.34	-0.08

204298_s_at	-0.64		2.81	1.67	
-2.25		T			
203039_s_at	1.18		2.9	0.99	
-2.25		T			
209273_s_at	1.59		2.78	0.06	
-2.25		T			
206302_s_at	1.9		4.83	-2.44	
-2.25		T			
214845_s_at	0.58		3.08	1.71	
-2.26		T			
210759_s_at	1.2		2.79	0.96	
-2.27		T			
209746_s_at	1.87		2.68	0.82	
-2.27		T			
203150_at	1.04		2.56	1.73	
-2.28		T			
217809_at	-1.01		5.05	1.62	
-2.28		T			
203676_at	1.1		3	1.61	-2.
29		T			
222220_s_at	1.44		2.65	1.52	
-2.29		T			
213872_at	1.38		3.45	0.84	
-2.29		T			
216389_s_at	1.09		3.6	0.71	
-2.29		T			
211804_s_at	-0.27		3.11	2.47	
-2.3		T			
217859_s_at	1.26		3.06	0.76	
-2.3		T			
212590_at	1.82		2.89	0.37	
-2.3		T			
204247_s_at	1.77		3.65	-0.16	
-2.31		T			
210024_s_at	1.36		3.79	-0.17	
-2.31		T			
221772_s_at	0.74		4.53	0.14	
-2.32		T			
201144_s_at	0.21		3.51	1.85	
-2.33		T			
207998_s_at	0.69		2.93	1.19	
-2.33		T			
200898_s_at	0.69		2.97	1.94	

-2.34		T		
208750_s_at	1.66		3.05	0.73
-2.34		T		
206106_at	0.42		2.91	1.97
-2.35		T		
201946_s_at	0.88		3.54	1.15
-2.35		T		
206383_s_at	1.46		2.97	1.53
-2.36		T		
218097_s_at	1.41		2.81	0.91
-2.36		T		
216111_x_at	2.14		3.35	0.42
-2.36		T		
201647_s_at	1.76		3.78	0.17
-2.36		T		
203076_s_at	0.7		2.83	2.22
-2.37		T		
201727_s_at	0.85		3.89	1.26
-2.37		T		
214117_s_at	1.8		3.68	0.08
-2.37		T		
208456_s_at	1.72		2.62	0.86
-2.39		T		
203746_s_at	0.8		3.22	1.44
-2.4		T		
209080_x_at	1.94		2.53	0.24
-2.4		T		
207782_s_at	1.61		3.04	0.83
-2.41		T		
201066_at	1.4		3.49	0.45
-2.41		T		
211404_s_at	1.15		4.7	-0.69
-2.41		T		

201742_x_at -2.42	1.07	2.97	1.97
		T	
205357_s_at -2.42	0.87	3.16	1.95
		T	
210820_x_at -2.42	1.82	3.15	0.44
		T	
215227_x_at -2.42	2.18	4.59	-1.56
		T	
202456_s_at -2.43	1.28	2.61	1.91
		T	
218033_s_at -2.43	1.81	2.78	1.07
		T	
214507_s_at -2.43	1.39	2.64	0.97
		T	
201646_at -2.43	1.48	3.96	0.65
		T	
221932_s_at -2.43	1.69	4.07	0.25
		T	
211392_s_at -2.43	1.78	3.9	0.2
		T	
210178_x_at -2.44	1.55	2.68	1.27
		T	
201322_at -2.45	0.09	5.05	0.93
		T	
210667_s_at -2.45	1.36	3.88	0.48
		T	
209149_s_at -2.45	2.33	4.85	-1.46
		T	
216392_s_at -2.46	1.45	3.41	1.2
		T	
218013_x_at -2.46	1.74	3.21	1.13
		T	
203126_at -2.48	0.35	4.35	1.74
		T	
202162_s_at -2.48	0.98	2.51	1.37
		T	
221781_s_at -2.5	0.61	5.54	-0.36
		T	
210216_x_at -2.52	1.24	3.34	1.71
		T	
209856_x_at -2.52	2.02	2.67	1.29
		T	

217457_s_at -2.52	1.22		3.4	1.25
221959_at -2.56	1.27	T	3.13	1.83
217799_x_at -2.56	1.41	T	2.78	1.31
214442_s_at -2.56	1.29	T	4.79	0.22
217919_s_at -2.56	2.06	T	4.06	-1.28
210114_at -2.57	1.21	T	3.06	1.63
201476_s_at -2.58	1.36	T	2.86	1.88
214173_x_at -2.58	1.8	T	3.46	0.17
208351_s_at -2.59	1.41	T	2.71	2.12
201971_s_at -2.59	1.98	T	2.59	0.81
208653_s_at -2.59	2.04	T	3.58	-0.01
210101_x_at -2.6	0.91	T	3.53	1.53
209231_s_at -2.6	1.2	T	3.04	1.19
212438_at -2.6	1.63	T	2.57	1.13
200744_s_at -2.6	1.2	T	4.09	0.91
201898_s_at -2.6	1.83	T	2.83	0.64
216591_s_at -2.6	1.73	T	2.84	0.58
208702_x_at -2.6	1.51	T	4.57	-0.29

203381_s_at -2.61	1.57	T	3.95	1.01
211162_x_at -2.61	2.21	T	3.06	0.67
206562_s_at -2.62	1.59	T	3.33	1.9
203357_s_at -2.62	1.88	T	2.87	1.79
212884_x_at -2.62	1.57	T	3.46	1.78
211563_s_at -2.62	1.15	T	3.28	1.65
200806_s_at -2.63	0.36	T	4.57	1.12
212484_at -2.63	0.53	T	5.33	0.42
209629_s_at -2.64	1.89	T	2.77	1.35
219960_s_at -2.65	2.09	T	3.01	0.14
204714_s_at -2.66 T	0.55	T	3.87	1.36
200722_s_at -2.67	2.08	T	2.94	1.57
208870_x_at -2.68	2.04	T	3.59	0.77
211793_s_at -2.69	0.82	T	3.86	1.98
201764_at -2.69	1.2	T	3.88	0.67
210153_s_at -2.7	1.02	T	2.8	2.44
210570_x_at	1.02		2.8	2.27

-2.7		T		
221423_s_at	2.12		2.92	1.21
-2.72		T		
201521_s_at	1.48		4.06	1.08
-2.73		T		
219600_s_at	1.88		2.56	1.08
-2.73		T		
212008_at	2.08		2.98	0.82
-2.73		T		
208447_s_at	1.32		3.86	1.24
-2.76		T		
208742_s_at	1.47		3.14	1.62
-2.79		T		
202542_s_at	1.4		4.06	0.97
-2.79		T		
201523_x_at	1.65		4.1	-0.35
-2.79		T		
202058_s_at	1.22		3.45	1.96
-2.81		T		
210235_s_at	1.19		3.27	2.24
-2.82		T		
200008_s_at	1.26		3.19	2.11
-2.83		T		
204312_x_at	1.9		2.68	2.05
-2.83		T		
204460_s_at	1.77		3.17	1.68
-2.83		T		
201096_s_at	1.25		5.73	0.04
-2.84		T		
210154_at	1.47		3.57	1.81
-2.85		T		
201446_s_at	2.13		2.66	1.62
-2.91		T		

200669_s_at -2.92	1.23		3.07	2.33
		T		
202129_s_at -2.95	1.72		2.59	1.84
		T		
214483_s_at -2.95	2.01		2.73	1.45
		T		
217356_s_at -2.96	2.25		2.58	1.32
		T		
221487_s_at -3.02	1.28		3.31	2.2
		T		
214875_x_at -3.03	2.07		4.73	-0.11
		T		
202166_s_at -3.07	1.7		3.42	1.59
		T		
202742_s_at -3.11	0.84		3.66	2.44
		T		
203382_s_at -3.13	1.45		4.37	2.16
		T		
201571_s_at -3.13	2.22		4.26	1.26
		T		
218187_s_at -3.19	1.76		3.82	1.55
		T		
201035_s_at -3.33	1.59		3.38	2.21
		T		
202593_s_at -3.51	1.92		3.67	2.06
		T		
204147_s_at -3.57	1.94		4.52	2.45
		T		
33767_at 1.7	2.88		-4.94	-2.67
B	B			
209309_at 1.64	3.74		-1.62	-4.6
B	B			
201005_at 1.26	2.79		-1.08	-4.5
B	B			

201193_at 0.92	2.6 B	-0.24	-4.74
200620_at 0.69	2.66 B	-0.65	-4.13
205160_at 0.61	2.68 B	-1.23	-3.46
220723_s_at 0.6 B	2.71 B	-1.56	-3.25
204412_s_at 0.55 B	3.27 B	-3.87	-1.94
211423_s_at 0.54	3.11 B	-0.6	-4.73
205827_at 0.53 B	2.88 B	-3.16	-2.23
202428_x_at 0.47	3.54 B	-0.36	-4.17
208926_at 0.35 B	3.03 B	-1.57	-3.06
220420_at 0.34 B	3.08 B	-2.45	-2.58
209368_at 0.25 B	2.94 B	-1.07	-3.12
201612_at 0.19	2.97 B	-1.38	-3.27
218886_at 0.18 B	2.82 B	-2.19	-2.39
208107_s_at 0.17	3.02 B	0.05	-2.84
207761_s_at 0.16	2.77 B	-5.19	-0.04
213787_s_at 0.15 B	3.28 B	-1.5	-2.9
208763_s_at	2.76	-2.93	-1.29

0.14	B		
201621_at	2.87	-3.29	-0.5
0.12	B		
211070_x_at	3.51	-0.02	-4.1
0.12	B		
37005_at	2.57	-3.45	0.19
0.11	B		
208881_x_at	2.53	-1.58	-2.18
0.05	B		
B			
211843_x_at	2.64	-2.12	-1.09
-0.000438422	B		
212510_at	3.23	-3.94	-1.62
-0.003613995	B		
B			
204615_x_at	2.83	-1.53	-2.25
-0.01	B		
B			
205141_at	2.69	-1.03	-1.88
-0.05	B		
201625_s_at	3.04	-0.96	-2.23
-0.12	B		
217014_s_at	3.4	-0.23	-3.29
-0.12	B		
205486_at	2.7	0.8	-4.22
-0.18	B		
201349_at	2.8	1.25	-2.96
-0.23	B		
202266_at	3.15	-2.06	-2.31
-0.24	B		
B			
203041_s_at	2.93	0.47	-3.33
-0.3	B		
209389_x_at	3.55	0.2	-3.85
-0.32	B		
220724_at	2.87	-0.86	-2.59
-0.34	B		
B			

206453_s_at -0.35	2.94 B	-3.91	-0.05	
202201_at -0.38	2.55 B	-0.95	-1.27	
209625_at 0.39	2.67 B	1	-3.72	-
205882_x_at -0.4 B	2.52 B	-3.09	-1.41	
214307_at -0.4	2.72 B	0.29	-2.58	
204903_x_at -0.44	2.59 B	1.08	-2.37	
201397_at -0.46	3.04 B	-1.77	-0.55	
203582_s_at -0.47	2.92 B	0.44	-3.72	
210544_s_at -0.51	2.86 B	-1.39	-1.17	
203435_s_at -0.52 B	2.99 B	-2.42	-1.38	
221532_s_at -0.54	2.77 B	0.05	-2.37	
220261_s_at -0.56	2.68 B	-0.27	-1.3	
205864_at -0.57	2.56 B	-0.93	-0.71	
210984_x_at -0.58	2.58 B	0.17	-0.94	
201627_s_at -0.59	2.91 B	-0.54	-2.08	
212280_x_at -0.64	2.57 B	1.1	-1.93	
201568_at -0.65	2.54 B	1.44	-2.6	

(473)

JP 2008-504803 A5 2011.8.18

204607_at -0.66	2.56 B	-0.12	-1.31
201955_at -0.67	2.56 B	0.61	-2.85
205221_at -0.68 B	3.42 B	0.005370435	-2.56
201522_x_at -0.78	3.58 B	0.31	-2.06
218573_at -0.83	2.75 B	0.23	-2.92
210658_s_at -0.86	2.9 B	-0.89	-0.99
204430_s_at -0.86 B	4.7 B	-3.04	-1.46
200884_at -0.88	2.51 B	-2.36	0.33
218924_s_at -0.89	2.58 B	0.82	-2.76
212041_at -0.91	2.82 B	-0.47	0.02
219924_s_at -0.91	2.6 B	-1.65	-0.78
208915_s_at -0.94	4.13 B	-0.42	-1.84
200844_s_at -0.95	2.81 B	0.79	-1.42
209218_at -0.96	2.9 B	0.76	-2.26
220233_at -0.99	2.8 B	-3.35	1.22
203722_at -1.02	2.86 B	-0.37	-1.93
217289_s_at -1.04	2.6 B	0.51	-1.89

201850_at -1.11	3.33 B	-3.24	0.57
207227_x_at -1.11 B	4.12 B	-1.37	-2.34
209608_s_at -1.11	3.4 B	0.66	-3.19
204800_s_at -1.15	2.8 B	-0.81	-0.18
203434_s_at -1.15 B	3.15 B	-1.15	-1.12
200820_at -1.16	2.5 B	1.79	-2.15
202399_s_at -1.17	2.5 B	1.18	-0.34
214308_s_at -1.18	3.01 B	0.72	-2.14
208899_x_at -1.19	2.51 B	0.32	-1.09
206065_s_at -1.24	2.86 B	-1.01	-0.85
203834_s_at -1.24	2.76 B	1.55	-1.44
201120_s_at -1.26	2.82 B	-1.75	1.46
202100_at -1.26	3.13 B	-1.36	-1.09
203588_s_at -1.3	3.13 B	1.35	-1.32
221504_s_at -1.35	2.85 B	1.02	-1.39
214992_s_at -1.37	2.81 B	-0.16	-0.18
210063_at	2.93	0.55	-0.25

-1.38	B		
209432_s_at	3.51	0.06	-1.17
-1.39	B		
212858_at	2.96	1.58	-0.95
-1.41	B		
219863_at	2.53	-1.5	0.75
-1.43	B		
210990_s_at	2.7	0.53	-0.14
-1.45	B		
214033_at	2.77	-0.84	0.89
-1.47	B		
218477_at	2.71	-0.19	-0.66
-1.49	B		
B			
205158_at	3.08	-1.15	0.87
-1.58	B		
200831_s_at	2.55	1.85	-0.9
-1.62	B		
211126_s_at	2.94	-2.25	2.45
-1.63	B		
201432_at	3.46	-0.25	-0.58
-1.66	B		
201403_s_at	3.75	-1.66	0.29
-1.67	B		
218346_s_at	3.13	1.27	-1.35
-1.68	B		
219184_x_at	2.6	0.15	0.79
-1.69	B		
207936_x_at	4.68	-0.87	-2.29
-1.7	B		
B			
202520_s_at	2.68	1.1	-0.16
-1.71	B		
220753_s_at	2.53	2.35	-1.76
-1.71	B		

(476)

JP 2008-504803 A5 2011.8.18

215090_x_at	3.07	1.2	-0.69	
-1.74	B			
217811_at	2.65	0.91	-0.93	
-1.76	B			
204392_at	2.53	2.17	-1.52	
-1.8	B			
204429_s_at	3.84	-1.21	-0.61	
-1.82	B			
B				
210907_s_at	2.53	1.75	-1.36	
-1.82	B			
206764_x_at	2.59	0.91	0.81	
-1.87	B			
221573_at	2.82	1.02	-0.3	
-1.91	B			
208682_s_at	4.74	0.2	-1.27	
-1.92	B			
200633_at	2.57	0.83	1.16	
-1.99	B			
218489_s_at	2.8	0.95	0.37	
-1.99	B			
208962_s_at	2.83	-1.3	2.28	
-2	B			
213791_at	2.6	0.8	1.59	-
2.04	B			
B				
201779_s_at	2.86	0.79	-0.26	
-2.04	B			
218824_at	2.58	-0.47	2.48	
-2.07	B			
214279_s_at	2.59	-0.58	1.08	
-2.11	B			
211922_s_at	3.05	0.42	0.5	
-2.13	B			
221693_s_at	2.93	-0.003509924	-0.11	
-2.15	B			

208964_s_at -2.16	B	2.81	-0.7	2.43
211114_x_at -2.16	B	2.91	1.44	0.4
210995_s_at -2.16	B	2.7	1.11	0.34
204246_s_at -2.33	B	3.13	1.37	0.61
210994_x_at -2.35	B	2.65	1.19	0.85
214107_x_at -2.39	B	2.94	1.61	0.39
208097_s_at -2.44	B	2.54	2.29	0.94
216607_s_at -2.51	B	3.35	1.26	0.19
202101_s_at -2.67	B	3.13	0.78	0.53
204415_at -2.99	B	2.66	1.95	2.44
206042_x_at -3.08	B	3.28	2.29	0.17
201988_s_at -3.11	B	3.03	1.29	2.44
207001_x_at -3.26	B	3.64	0.59	1.45
217981_s_at -3.31	B	2.6	1.24	1.48
202037_s_at 7.01		-6.31	-5.48	-3.6 G
210297_s_at 5.04		0.15	-6.44	-4.88 G
203408_s_at		-3.74	-5.05	-4.47

4.99			G
203124_s_at 4.97	-2.92	-2.64	-6.49 G
207430_s_at 4.22	0.96	-6.13	-4.7 G
211678_s_at 4.12	-2.14	-3.42	-4.28 G
202481_at 4.1	-2.36	-4.65	-2.82 G
204079_at 4	-2.8	-0.47	-4.11 G
202948_at 3.91	-1.68	-2.95	-4.66 G
201656_at 3.79	-1.53	-2.89	-4.04 G
200606_at 3.73	-1.01	-2.54	-5.53 G
202193_at 3.67	-2.23	-3.89	-3.91 G
203453_at 3.67	-1.07	-5.17	-4.6 G
212236_x_at 3.63	-3.22	-5.09	-1.57 G
220262_s_at 3.59	-0.49	-5.14	-3.88 G
212973_at 3.55	-4.19	-1.02	-3.1 G
209498_at 3.52	-2.76	-3.41	-3.2 G
209863_s_at 3.49	-0.35	-6.2	-2.72 G
209295_at 3.46	-2.97	-3.59	-2.43 G
218589_at	-1.51	-3.71	-3.63

3.46			G
37117_at	-1.75	-0.96	-5.42
3.42			G
202808_at	-3.29	-3.28	-1.22
3.41			G
209509_s_at	-3.37	0.42	-4.43
3.39			G
210582_s_at	-1.51	-3.56	-3.53
3.32			G
203256_at	-2.13	-4.78	-2.09
3.28			G
200636_s_at	-0.87	-1.98	-5.07
3.27			G
200618_at	-2.84	-3.28	-0.81
3.25			G
218849_s_at	-1.19	-3.25	-4.21
3.25			G
203585_at	-1.24	-6.03	-1.38
3.23			G
208904_s_at	-1.23	-2.04	-4.1
3.23			G
213857_s_at	-0.17	-2.61	-4.64
3.23			G
202023_at	-1.66	-1.51	-4.22
3.22			G
202286_s_at	-1.96	-1.05	-4.6
3.22			G
202949_s_at	-2.77	-6.44	0.97
3.21			G
205157_s_at	-2.78	-4.4	-1.47
3.21			G
202081_at	-4.32	-1.8	-1.64
3.16			G

(480)

JP 2008-504803 A5 2011.8.18

203455_s_at 3.16	-1.45	-2.01	-4.09 G
51158_at 3.14	-0.9	-0.58	-6.86 G
213275_x_at 3.1	-2.4	-5.32	-0.17 G
215411_s_at 3.1	-0.78	-5.68	-2.42 G
208190_s_at 3.09	-1.56	0.23	-5.77 G
210026_s_at 3.08	-2.05	-2.68	-2.84 G
214930_at 3.06	-2.84	-2.53	-1.83 G
219250_s_at 3.06	-1.52	-4.11	-2.39 G
213462_at 3.05	-2.3	-2.19	-2.6 G
205225_at 3.04	-3.54	-2.49	-1.26 G
201059_at 3.03	-1.47	-2.37	-2.88 G
208843_s_at 3.03	-3.55	0.75	-3.66 G
221880_s_at 3.01	-1.18	-0.08	-6.05 G
212323_s_at 2.99	-2.33	-3.19	-1.35 G
217892_s_at 2.98	-1.23	-3.15	-2.96 G
203638_s_at 2.96	-1.6	-5.9	0.02 G
202357_s_at 2.96	-2.59	-2.94	-2.01 G

203649_s_at 2.96	-3.15	-0.2	-3.3 G
201883_s_at 2.94	-2.59	-3.01	-1.34 G
202252_at 2.94	-1.81	-2.77	-2.71 G
213260_at 2.92	-3.04	-3.54	-0.58 G
200840_at 2.92	-2.59	-1.85	-2.63 G
212875_s_at 2.91	-1.67	-3.15	-1.84 G
211778_s_at 2.91	-1.1	-1.42	-4.74 G
203024_s_at 2.9	-1.31	-0.32	-3.75 G
203973_s_at 2.89	-5.27	-2.1	0.91 G
205043_at 2.89	-3.11	-2.93	-1.04 G
212697_at 2.89	-0.82	-2.63	-4.05 G
205597_at 2.89	-2.45	0.44	-4.45 G
201694_s_at 2.88	-4.16	-1.87	-0.65 G
214036_at 2.88	-1.53	-4.53	-1.45 G
202036_s_at 2.88	-1.44	-4.03	-2.24 G
200810_s_at 2.88	-1.23	-3.57	-2.59 G
202597_at	-1.23	-2.51	-4.16

2.88			G
203509_at 2.86	-0.9	-4.13	-2.28 G
202935_s_at 2.85	-2.73	-1.95	-2.76 G
221215_s_at 2.85	-1.07	-2.29	-4.05 G
205980_s_at 2.85	-1.59	-0.62	-4.47 G
202018_s_at 2.83	-2.25	-3.31	-1.81 G
201596_x_at 2.83	-1.42	0.54	-5.2 G
201553_s_at 2.82	-1.16	-3.36	-1.74 G
204734_at 2.82	-0.33	-5.45	-2.42 G
212573_at 2.82	-0.64	-0.48	-5.72 G
203123_s_at 2.81	-1.81	-1.75	-3.68 G
212841_s_at 2.81	-0.7	-2.38	-4.35 G
210891_s_at 2.8	-1.21	-2.97	-2.72 G
202241_at 2.79	-4.98	0.87	-1.93 G
218966_at 2.78	-1.21	-0.26	-5.58 G
218795_at 2.78	-1.28	0.41	-5.64 G
219511_s_at 2.77	-2.32	-2.84	-1.48 G

(483)

JP 2008-504803 A5 2011.8.18

214898_x_at 2.77	-1.51	-2.61	-2.92 G
33323_r_at 2.76	-0.34	-4.26	-2.84 G
213844_at 2.76	-1.74	-1.93	-3.32 G
213702_x_at 2.76	-0.34	-1.88	-4.97 G
214919_s_at 2.74	-1.36	-0.4	-5.31 G
202504_at 2.73	-1.27	-4.84	-1.99 G
209403_at 2.73	-2.15	-1.9	-2.58 G
205709_s_at 2.73	-0.79	-1.33	-5.08 G
32137_at 2.72	-1.41	-3.7	-2.33 G
209505_at 2.71	-2.23	-4.03	0.01 G
209792_s_at 2.71	-2.34	-3.25	-1.57 G
212931_at 2.7	-2.21	-3.02	-0.91 G
206115_at 2.7	-3.67	-1.27	-1.1 G
207808_s_at 2.7	-3.51	-0.46	-1.83 G
213485_s_at 2.7	-1.18	-3.76	-1.95 G
202548_s_at 2.7	-1.61	-1.47	-3.29 G
202936_s_at 2.7	-2.02	-1.08	-3.33 G

213792_s_at 2.69	-2.11	-2.76	-1.42 G
221741_s_at 2.69	-2.04	-0.79	-3.13 G
212859_x_at 2.69	-0.58	-2.86	-3.35 G
204484_at 2.68	-1.8	-2.1	-2.08 G
210627_s_at 2.68	-2.13	0.86	-4.63 G
203180_at 2.68	-2.06	1.11	-4.66 G
214428_x_at 2.67	-3.91	-1.5	-0.47 G
208451_s_at 2.67	-4.21	-1.69	-0.73 G
210166_at 2.67	-1.94	-2.68	-2.4 G
209360_s_at 2.66	-2.41	-2.93	-0.78 G
200686_s_at 2.66	-1.88	-1.06	-3.24 G
201510_at 2.65	-2.8	-1.59	-2.16 G
203752_s_at 2.64	-3.73	-1.48	-0.47 G
204393_s_at 2.64	1.53	-3.52	-3.93 G
201650_at 2.63	-2.31	-3.32	-1.31 G
201993_x_at 2.63	-2.53	-2.3	-1.44 G
211950_at	-1.86	-2.46	-1.71

2.63			G
209774_x_at 2.63	-2.53	-1.79	-1.95 G
205074_at 2.63	0.07	-1.2	-5.7 G
208933_s_at 2.62	-2.22	-2.43	-1.72 G
208632_at 2.61	-1.53	-2.5	-2.3 G
201166_s_at 2.61	-1.43	-2.21	-2.71 G
33322_i_at 2.61	0.05	-4.11	-2.9 G
213307_at 2.61	-1.3	-1.18	-4.06 G
218546_at 2.6	-0.9	-0.53	-4.91 G
218652_s_at 2.6	-1.02	0.32	-5.25 G
203700_s_at 2.59	-2.74	-1.08	-1.62 G
222258_s_at 2.59	-2.26	0.57	-4.22 G
202688_at 2.59	-0.35	-0.38	-5.2 G
202510_s_at 2.58	-2.78	-3.02	-0.31 G
212334_at 2.58	-2.39	-2.17	-1.29 G
200847_s_at 2.58	0.78	-2.88	-4.62 G
218211_s_at 2.58	0.01	-0.56	-5.74 G

(486)

JP 2008-504803 A5 2011.8.18

201240_s_at 2.57	0.53	-1.92	-4.41 G
200670_at 2.57	-1.05	0.32	-5.04 G
203066_at 2.56	-1.48	-5.08	-0.05 G
222243_s_at 2.56	-2.2	-1.9	-2.06 G
205249_at 2.55	-3.74	-0.69	-1.08 G
201221_s_at 2.55	-1.58	-1.84	-2.82 G
221872_at 2.54	-2.53	-2.97	-0.79 G
203038_at 2.54	-1.77	-2.12	-1.62 G
203043_at 2.54	-2.47	-0.47	-2.2 G
201015_s_at 2.54	-1.79	-0.64	-3.39 G
212312_at 2.54	-1.63	-0.84	-3.5 G
218149_s_at 2.53	-1.13	-3.57	-1.84 G
214003_x_at 2.53	-1.61	-2.69	-2.37 G
203313_s_at 2.53	-2.23	-1.14	-2.4 G
221081_s_at 2.53	-0.94	-1.93	-3.53 G
205453_at 2.52	-0.6	-4.04	-1.81 G
209784_s_at 2.52	-1	-3.63	-2.43 G

221516_s_at 2.52	-1.38	-1.74	-2.68 G
213682_at 2.52	-1.69	-1.35	-2.83 G
218189_s_at 2.52	-0.3	-0.27	-4.78 G
219916_s_at 2.51	-1.6	-2.62	-2.02 G
210592_s_at 2.51	-1.9	-0.78	-3.57 G
218729_at 2.5	-2.6	-2.88	-0.61 G
219764_at 2.5	-1.45	-4.01	-1.08 G
208998_at 2.5	-2.12	-2.44	-1.4 G
212314_at 2.5	-0.24	-1.85	-5.13 G

【 0 2 9 4 】

【表 9 - 1】

表 9: 前立腺癌を持つ全 サンプル を含む、直線回帰によって計算された、再発患者の前立腺腫瘍細胞において、アップレギュレートおよびダウンレギュレートされたとして同定されたトップ遺伝子。(ダウンレギュレートに関しては マイナス 数字、- 1 がもっとも良い)

Affymetrix プローブID	T 統計値	ランク	大きな差
218509_at	5.44	1	D
220587_s_at	5.22	2	
208579_x_at	4.83	3	
208490_x_at	4.56	4	
209806_at	4.55	5	
208527_x_at	4.55	6	
208676_s_at	4.51	7	D
218186_at	4.26	8	
209873_s_at	4.23	9	
202148_s_at	4.23	10	D
201618_x_at	4.13	11	
209391_at	4.07	12	
200003_s_at	3.95	13	
212445_s_at	3.94	14	
64899_at	3.91	15	
220584_at	3.87	16	
202041_s_at	3.86	17	
211982_x_at	3.86	18	D
215690_x_at	3.86	19	
218275_at	3.84	20	
202871_at	3.8	21	
222067_x_at	3.79	22	
210243_s_at	3.71	23	
32837_at	3.62	24	
211716_x_at	3.61	25	D
208629_s_at	3.6	26	
213843_x_at	3.6	27	
211899_s_at	3.59	28	
203103_s_at	3.56	29	
219798_s_at	3.55	30	
215812_s_at	3.54	31	
211060_x_at	3.52	32	
208684_at	3.51	33	D
206491_s_at	3.5	34	
218261_at	3.5	35	
203720_s_at	3.46	36	
201115_at	3.45	37	
201388_at	3.45	38	
220189_s_at	3.44	39	
208308_s_at	3.44	40	D
210983_s_at	3.43	41	D
219360_s_at	3.41	42	
201378_s_at	3.37	43	D
202779_s_at	3.37	44	D

【表 9 - 2】

203287_at	3.36	45	
201168_x_at	3.35	46	
202525_at	3.35	47	
210854_x_at	3.35	48	
208613_s_at	3.34	49	
209696_at	3.31	50	
217294_s_at	3.31	51	D
214784_x_at	3.31	52	
219223_at	3.31	53	
200852_x_at	3.31	54	
209844_at	3.3	55	
208546_x_at	3.29	56	
204934_s_at	3.27	57	
202676_x_at	3.25	58	
212125_at	3.25	59	
201771_at	3.24	60	
202247_s_at	3.21	61	D
200997_at	3.21	62	
207722_s_at	3.21	63	
201709_s_at	3.2	64	
203228_at	3.19	65	
204109_s_at	3.19	66	
M33197_5_at	3.19	67	
208824_x_at	3.17	68	
212282_at	3.17	69	
209878_s_at	3.15	70	
210761_s_at	3.15	71	
208751_at	3.15	72	
202758_s_at	3.14	73	
218164_at	3.14	74	
201548_s_at	3.14	75	
209231_s_at	3.14	76	
214501_s_at	3.13	77	
58696_at	3.13	78	
212081_x_at	3.12	79	
210470_x_at	3.11	80	D
212563_at	3.1	81	
202790_at	3.1	82	
214336_s_at	3.09	83	
65517_at	3.09	84	
208523_x_at	3.09	85	D
208856_x_at	3.09	86	
200895_s_at	3.09	87	
208698_s_at	3.08	88	
208621_s_at	3.08	89	
202545_at	3.07	90	
203952_at	3.06	91	
201946_s_at	3.06	92	
212772_s_at	3.05	93	
217791_s_at	3.05	94	
217784_at	3.05	95	
201526_at	3.04	96	

【表 9 - 3】

220707_s_at	3.04	97	D
200950_at	3.03	98	
212002_at	3.03	99	
218893_at	3.03	100	
201587_s_at	3.03	101	
208693_s_at	3.03	102	
209516_at	3.03	103	
217754_at	3.02	104	
209592_s_at	3.02	105	
202290_at	3.02	106	
218695_at	3.01	107	
220964_s_at	3.01	108	
213059_at	3	109	
204480_s_at	3	110	
212845_at	-3	-284	
212535_at	-3.01	-283	
212150_at	-3.01	-282	
202000_at	-3.01	-281	
202133_at	-3.01	-280	D
201153_s_at	-3.01	-279	
200673_at	-3.02	-278	
204655_at	-3.02	-277	
209658_at	-3.02	-276	
213044_at	-3.02	-275	
209656_s_at	-3.03	-274	
221788_at	-3.03	-273	
209465_x_at	-3.03	-272	
212956_at	-3.04	-271	
220617_s_at	-3.04	-270	
204345_at	-3.04	-269	
203017_s_at	-3.05	-268	
203636_at	-3.06	-267	
201865_x_at	-3.06	-266	
202269_x_at	-3.07	-265	D
213338_at	-3.07	-264	
200762_at	-3.07	-263	
208131_s_at	-3.08	-262	
204753_s_at	-3.09	-261	
213158_at	-3.1	-260	
211577_s_at	-3.1	-259	
211562_s_at	-3.1	-258	
212226_s_at	-3.1	-257	
213005_s_at	-3.1	-256	
205348_s_at	-3.11	-255	
823_at	-3.11	-254	
212713_at	-3.11	-253	
200696_s_at	-3.11	-252	
204359_at	-3.11	-251	
209747_at	-3.11	-250	
207876_s_at	-3.11	-249	D
213878_at	-3.12	-248	
211126_s_at	-3.12	-247	

【表 9 - 4】

211813_x_at	-3.12	-246	D
208030_s_at	-3.13	-245	
218082_s_at	-3.13	-244	
210764_s_at	-3.13	-243	D
200985_s_at	-3.14	-242	
209075_s_at	-3.14	-241	
209473_at	-3.14	-240	
212557_at	-3.14	-239	D
212149_at	-3.14	-238	
206070_s_at	-3.15	-237	
221523_s_at	-3.15	-236	D
209297_at	-3.15	-235	
212288_at	-3.15	-234	
213306_at	-3.15	-233	
202074_s_at	-3.16	-232	
203156_at	-3.16	-231	
215016_x_at	-3.16	-230	
201200_at	-3.17	-229	
207738_s_at	-3.17	-228	
202037_s_at	-3.17	-227	D
209129_at	-3.18	-226	
217437_s_at	-3.18	-225	
202026_at	-3.18	-224	
217362_x_at	-3.18	-223	
219747_at	-3.18	-222	
209466_x_at	-3.19	-221	
200791_s_at	-3.19	-220	
202522_at	-3.19	-219	
213110_s_at	-3.2	-218	
202266_at	-3.2	-217	D
209542_x_at	-3.2	-216	
201603_at	-3.21	-215	
202440_s_at	-3.21	-214	
212423_at	-3.22	-213	
204963_at	-3.22	-212	
209568_s_at	-3.22	-211	
211984_at	-3.22	-210	
213411_at	-3.23	-209	
201150_s_at	-3.23	-208	
201336_at	-3.23	-207	
201021_s_at	-3.23	-206	
214752_x_at	-3.23	-205	
209550_at	-3.23	-204	
221760_at	-3.24	-203	
200899_s_at	-3.24	-202	
206332_s_at	-3.24	-201	
211737_x_at	-3.24	-200	
208747_s_at	-3.24	-199	
204412_s_at	-3.24	-198	
209770_at	-3.25	-197	
206481_s_at	-3.25	-196	
212549_at	-3.25	-195	

【 0 2 9 8】

【表 9 - 5】

211986_at	-3.26	-194
203687_at	-3.26	-193
212551_at	-3.26	-192
201152_s_at	-3.26	-191
211962_s_at	-3.26	-190
203632_s_at	-3.27	-189
208944_at	-3.27	-188
212558_at	-3.27	-187
201185_at	-3.27	-186
219055_at	-3.27	-185
219647_at	-3.28	-184
203705_s_at	-3.28	-183
205383_s_at	-3.28	-182
204462_s_at	-3.29	-181
213203_at	-3.29	-180
219685_at	-3.3	-179
202646_s_at	-3.3	-178
205564_at	-3.3	-177
203339_at	-3.31	-176
204939_s_at	-3.31	-175
202506_at	-3.31	-174
218718_at	-3.32	-173
203065_s_at	-3.33	-172
206938_at	-3.33	-171
205051_s_at	-3.33	-170
212063_at	-3.34	-169
216215_s_at	-3.34	-168
213675_at	-3.34	-167
35776_at	-3.36	-166
212690_at	-3.38	-165
204400_at	-3.38	-164
202157_s_at	-3.39	-163
209090_s_at	-3.39	-162
204135_at	-3.39	-161
201409_s_at	-3.4	-160
208158_s_at	-3.4	-159
220911_s_at	-3.42	-158
201957_at	-3.42	-157
209616_s_at	-3.42	-156
220751_s_at	-3.42	-155
209291_at	-3.42	-154
200986_at	-3.44	-153
206874_s_at	-3.45	-152
209210_s_at	-3.45	-151
204069_at	-3.46	-150
214937_x_at	-3.46	-149
201667_at	-3.46	-148
202362_at	-3.46	-147
201368_at	-3.47	-146
207977_s_at	-3.48	-145
201536_at	-3.48	-144
212829_at	-3.48	-143

D

D

【表 9 - 6】

210299_s_at	-3.49	-142	D
212230_at	-3.49	-141	
219167_at	-3.49	-140	
209379_s_at	-3.49	-139	
208791_at	-3.49	-138	D
212233_at	-3.5	-137	D
204820_s_at	-3.51	-136	
202995_s_at	-3.51	-135	
200931_s_at	-3.51	-134	
203566_s_at	-3.52	-133	D
221816_s_at	-3.53	-132	
203680_at	-3.53	-131	
212865_s_at	-3.54	-130	
218217_at	-3.55	-129	
218824_at	-3.56	-128	
212111_at	-3.56	-127	
212148_at	-3.57	-126	
217766_s_at	-3.57	-125	
203903_s_at	-3.58	-124	
215000_s_at	-3.59	-123	
208792_s_at	-3.59	-122	
206580_s_at	-3.59	-121	
213068_at	-3.6	-120	
209337_at	-3.61	-119	
208667_s_at	-3.61	-118	
213924_at	-3.61	-117	
204931_at	-3.62	-116	
217792_at	-3.62	-115	
202501_at	-3.63	-114	
201300_s_at	-3.63	-113	
204570_at	-3.65	-112	
202946_s_at	-3.65	-111	
212097_at	-3.66	-110	
200953_s_at	-3.68	-109	D
209540_at	-3.7	-108	
204754_at	-3.71	-107	D
203420_at	-3.72	-106	
200816_s_at	-3.72	-105	
202172_at	-3.74	-104	
212120_at	-3.74	-103	
205480_s_at	-3.75	-102	
204083_s_at	-3.75	-101	
204464_s_at	-3.77	-100	
221748_s_at	-3.77	-99	
212419_at	-3.79	-98	
203037_s_at	-3.79	-97	
203640_at	-3.79	-96	
212586_at	-3.79	-95	
202073_at	-3.8	-94	
209496_at	-3.82	-93	
212764_at	-3.82	-92	D
212043_at	-3.82	-91	D

【表 9 - 7】

201289_at	-3.83	-90	
200621_at	-3.83	-89	D
207016_s_at	-3.83	-88	
205624_at	-3.84	-87	
207547_s_at	-3.84	-86	
201893_x_at	-3.85	-85	
201787_at	-3.86	-84	
211323_s_at	-3.87	-83	D
202401_s_at	-3.88	-82	
207761_s_at	-3.88	-81	
201121_s_at	-3.89	-80	D
207071_s_at	-3.89	-79	
204793_at	-3.9	-78	
218162_at	-3.9	-77	
212914_at	-3.9	-76	
218730_s_at	-3.91	-75	D
201012_at	-3.91	-74	D
209541_at	-3.91	-73	
200911_s_at	-3.91	-72	
201560_at	-3.93	-71	
204041_at	-3.93	-70	
218698_at	-3.94	-69	
201272_at	-3.95	-68	
210297_s_at	-3.95	-67	
204393_s_at	-3.96	-66	D
207961_x_at	-3.98	-65	
221584_s_at	-3.99	-64	
212509_s_at	-4.02	-63	
212730_at	-4.02	-62	
218421_at	-4.03	-61	
209487_at	-4.03	-60	
213071_at	-4.03	-59	D
209118_s_at	-4.04	-58	
218298_s_at	-4.05	-57	
203404_at	-4.06	-56	D
203706_s_at	-4.06	-55	
213093_at	-4.06	-54	
202992_at	-4.09	-53	D
201408_at	-4.09	-52	
217922_at	-4.1	-51	
218087_s_at	-4.1	-50	D
218047_at	-4.14	-49	
200982_s_at	-4.14	-48	
200907_s_at	-4.15	-47	
202594_at	-4.15	-46	
205364_at	-4.16	-45	
212724_at	-4.18	-44	
208848_at	-4.2	-43	
202565_s_at	-4.25	-42	
212757_s_at	-4.25	-41	
208789_at	-4.28	-40	D
203710_at	-4.31	-39	

【表 9 - 8】

212195_at	-4.35	-38	
203766_s_at	-4.35	-37	
201061_s_at	-4.36	-36	
213293_s_at	-4.36	-35	
209651_at	-4.38	-34	
212813_at	-4.41	-33	
209687_at	-4.43	-32	
202350_s_at	-4.44	-31	
210987_x_at	-4.49	-30	
202555_s_at	-4.55	-29	
209286_at	-4.58	-28	
205011_at	-4.58	-27	
212077_at	-4.6	-26	
218418_s_at	-4.64	-25	
209948_at	-4.64	-24	D
202228_s_at	-4.66	-23	
217897_at	-4.66	-22	D
209763_at	-4.67	-21	
202994_s_at	-4.67	-20	
207480_s_at	-4.67	-19	
207430_s_at	-4.67	-18	D
201540_at	-4.72	-17	
216231_s_at	-4.72	-16	
203951_at	-4.72	-15	
209288_s_at	-4.75	-14	
221958_s_at	-4.76	-13	
201431_s_at	-4.8	-12	
200974_at	-4.82	-11	
221667_s_at	-4.99	-10	
202432_at	-5.02	-9	
200897_s_at	-5.15	-8	
209074_s_at	-5.16	-7	D
201891_s_at	-5.19	-6	
201497_x_at	-5.23	-5	
202274_at	-5.72	-4	
200795_at	-5.89	-3	
201022_s_at	-5.93	-2	
210986_s_at	-6.14	-1	

【 0 3 0 2 】

【表 10 - 1】

表10: 前立腺癌を持つ全てのサンプルを含む、直線回帰によって計算された、再発患者の前立腺間質において、アップレギュレートおよびダウンレギュレートされたとして同定されたトップ遺伝子。
(ダウンレギュレートに関してはマイナス数字、
-1 がもっとも良い)

Affymetrix 番号 プローブセット 名称	T 統計値	ランク
プローブセット 名称		D
204436_at	4.19	1
212076_at	3.94	2

【0303】

【表 1 0 - 2】

202401_s_at	3.93	3	
211323_s_at	3.85	4	D
211991_s_at	3.81	5	
212713_at	3.77	6	D
207547_s_at	3.73	7	
209473_at	3.68	8	
200953_s_at	3.61	9	D
202501_at	3.61	10	
205988_at	3.59	11	
212151_at	3.57	12	
203735_x_at	3.55	13	
205456_at	3.51	14	
218525_s_at	3.5	15	
208789_at	3.49	16	D
204882_at	3.48	17	
201148_s_at	3.47	18	
207691_x_at	3.47	19	
200610_s_at	3.46	20	
215826_x_at	3.46	21	
209582_s_at	3.45	22	D
209071_s_at	3.4	23	D
201080_at	3.39	24	
210105_s_at	3.39	25	
200621_at	3.38	26	D
218581_at	3.37	27	
209070_s_at	3.35	28	
221958_s_at	3.35	29	
211203_s_at	3.35	30	
201893_x_at	3.34	31	
205011_at	3.34	32	
203853_s_at	3.34	33	
221447_s_at	3.34	34	
212972_x_at	3.33	35	
214760_at	3.3	36	
202048_s_at	3.28	37	
217187_at	3.27	38	
204754_at	3.26	39	D
217362_x_at	3.25	40	
210976_s_at	3.25	41	
209057_x_at	3.2	42	D
205405_at	3.19	43	
200974_at	3.19	44	
213958_at	3.18	45	
204795_at	3.17	46	
219035_s_at	3.16	47	
217580_x_at	3.16	48	D
209947_at	3.15	49	
212822_at	3.15	50	
217925_s_at	3.15	51	
211697_x_at	3.15	52	D
38521_at	3.14	53	
204341_at	3.14	54	D

【表 10 - 3】

216033_s_at	3.14	55
209646_x_at	3.14	56
208306_x_at	3.13	57
210444_at	3.13	58
209297_at	3.13	59
214738_s_at	3.1	60
202074_s_at	3.1	61
205482_x_at	3.09	62
201320_at	3.09	63
214694_at	3.08	64
212344_at	3.08	65
206868_at	3.08	66
211504_x_at	3.08	67
206057_x_at	3.07	68
219093_at	3.07	69
203950_s_at	3.06	70
200795_at	3.06	71
212239_at	3.05	72
211296_x_at	3.05	73
210288_at	3.04	74
205151_s_at	3.03	75
38149_at	3.02	76
211123_at	3.02	77
218338_at	3.01	78
217782_s_at	-2.5	-626
211972_x_at	-2.5	-625
220477_s_at	-2.5	-624
201485_s_at	-2.5	-623
203201_at	-2.51	-622
217950_at	-2.51	-621
209917_s_at	-2.51	-620
203164_at	-2.51	-619
218186_at	-2.51	-618
218617_at	-2.51	-617
203573_s_at	-2.51	-616
203721_s_at	-2.51	-615
201568_at	-2.51	-614
209110_s_at	-2.51	-613
209471_s_at	-2.51	-612
208721_s_at	-2.51	-611
208649_s_at	-2.52	-610
212168_at	-2.52	-609
209377_s_at	-2.52	-608
217870_s_at	-2.52	-607
218557_at	-2.52	-606
209177_at	-2.52	-605
202868_s_at	-2.52	-604
209472_at	-2.52	-603
214243_s_at	-2.52	-602
218681_s_at	-2.52	-601
217755_at	-2.53	-600
221587_s_at	-2.53	-599

【表 1 0 - 4】

220945_x_at	-2.53	-598
211070_x_at	-2.53	-597
216958_s_at	-2.53	-596
213399_x_at	-2.53	-595
209228_x_at	-2.53	-594
201077_s_at	-2.53	-593
218434_s_at	-2.53	-592
218795_at	-2.54	-591
202769_at	-2.54	-590
201219_at	-2.54	-589
200925_at	-2.54	-588
211596_s_at	-2.54	-587
208650_s_at	-2.54	-586
221570_s_at	-2.54	-585
202343_x_at	-2.54	-584
202758_s_at	-2.54	-583
212508_at	-2.54	-582
204246_s_at	-2.54	-581
217973_at	-2.55	-580
216532_x_at	-2.55	-579
201705_at	-2.55	-578
221939_at	-2.55	-577
222075_s_at	-2.55	-576
219203_at	-2.55	-575
215091_s_at	-2.56	-574
209696_at	-2.56	-573
217875_s_at	-2.56	-572
217976_s_at	-2.56	-571
212449_s_at	-2.56	-570
201003_x_at	-2.56	-569
200078_s_at	-2.57	-568
202166_s_at	-2.57	-567
203007_x_at	-2.57	-566
202697_at	-2.57	-565
221434_s_at	-2.57	-564
215947_s_at	-2.57	-563
200819_s_at	-2.57	-562
209364_at	-2.57	-561
218685_s_at	-2.57	-560
204168_at	-2.58	-559
203041_s_at	-2.58	-558
209389_x_at	-2.58	-557
208930_s_at	-2.58	-556
203351_s_at	-2.58	-555
209171_at	-2.58	-554
201698_s_at	-2.58	-553
206066_s_at	-2.58	-552
213828_x_at	-2.59	-551
214522_x_at	-2.59	-550
203360_s_at	-2.59	-549
206491_s_at	-2.59	-548
219176_at	-2.59	-547

【表 1 0 - 5】

212833_at	-2.59	-546	
201625_s_at	-2.59	-545	
204922_at	-2.59	-544	
207088_s_at	-2.59	-543	
207707_s_at	-2.59	-542	
209625_at	-2.59	-541	
202121_s_at	-2.59	-540	
221041_s_at	-2.6	-539	
210387_at	-2.6	-538	
218095_s_at	-2.6	-537	D
215726_s_at	-2.6	-536	
204170_s_at	-2.6	-535	
201624_at	-2.6	-534	
213716_s_at	-2.6	-533	
206469_x_at	-2.6	-532	
205542_at	-2.6	-531	
217800_s_at	-2.6	-530	
208932_at	-2.6	-529	
200777_s_at	-2.6	-528	
201273_s_at	-2.61	-527	
203646_at	-2.61	-526	
208788_at	-2.61	-525	
41047_at	-2.61	-524	
220547_s_at	-2.61	-523	
201900_s_at	-2.61	-522	
212204_at	-2.61	-521	
212006_at	-2.61	-520	
217752_s_at	-2.61	-519	
221637_s_at	-2.61	-518	
210927_x_at	-2.61	-517	
209014_at	-2.61	-516	
217850_at	-2.61	-515	
202545_at	-2.61	-514	
209407_s_at	-2.61	-513	
203030_s_at	-2.61	-512	
214765_s_at	-2.62	-511	
204427_s_at	-2.62	-510	
204050_s_at	-2.62	-509	
214542_x_at	-2.62	-508	
203511_s_at	-2.63	-507	
209694_at	-2.63	-506	
209482_at	-2.63	-505	
217770_at	-2.63	-504	
205597_at	-2.63	-503	
200790_at	-2.63	-502	
220334_at	-2.63	-501	
201095_at	-2.64	-500	
208651_x_at	-2.64	-499	D
205449_at	-2.64	-498	
209100_at	-2.64	-497	
216088_s_at	-2.64	-496	
201114_x_at	-2.64	-495	

【 0 3 0 7 】

【表 10 - 6】

210541_s_at	-2.65	-494
213892_s_at	-2.65	-493
202737_s_at	-2.65	-492
218341_at	-2.65	-491
210024_s_at	-2.65	-490
201177_s_at	-2.65	-489
220587_s_at	-2.65	-488
213971_s_at	-2.65	-487
213738_s_at	-2.66	-486
212246_at	-2.66	-485
216230_x_at	-2.66	-484
203857_s_at	-2.66	-483
212191_x_at	-2.66	-482
202890_at	-2.66	-481
209217_s_at	-2.66	-480
202433_at	-2.66	-479
201600_at	-2.66	-478
209340_at	-2.67	-477
208024_s_at	-2.67	-476
202993_at	-2.67	-475
200852_x_at	-2.67	-474
204212_at	-2.67	-473
203667_at	-2.67	-472
213175_s_at	-2.68	-471
211423_s_at	-2.68	-470
213735_s_at	-2.68	-469
209808_x_at	-2.68	-468
218283_at	-2.68	-467
203272_s_at	-2.68	-466
202139_at	-2.69	-465
220192_x_at	-2.69	-464
217861_s_at	-2.69	-463
217868_s_at	-2.69	-462
200960_x_at	-2.69	-461
202927_at	-2.69	-460
219075_at	-2.69	-459
203791_at	-2.69	-458
218074_at	-2.69	-457
218320_s_at	-2.69	-456
200903_s_at	-2.7	-455
222256_s_at	-2.7	-454
200710_at	-2.7	-453
201019_s_at	-2.71	-452
218548_x_at	-2.71	-451
217942_at	-2.71	-450
209911_x_at	-2.71	-449
1729_at	-2.71	-448
213726_x_at	-2.71	-447
203478_at	-2.71	-446
212767_at	-2.72	-445
217898_at	-2.72	-444
213133_s_at	-2.72	-443

D

【表 10 - 7】

218789_s_at	-2.72	-442	
221566_s_at	-2.72	-441	
202122_s_at	-2.72	-440	
207063_at	-2.72	-439	
203954_x_at	-2.72	-438	
209080_x_at	-2.72	-437	
202942_at	-2.72	-436	
209797_at	-2.73	-435	
212255_s_at	-2.73	-434	
213581_at	-2.73	-433	
212680_x_at	-2.73	-432	
216905_s_at	-2.73	-431	
218732_at	-2.73	-430	
209478_at	-2.73	-429	
218216_x_at	-2.74	-428	
202457_s_at	-2.74	-427	
205780_at	-2.74	-426	
203034_s_at	-2.74	-425	
209063_x_at	-2.74	-424	
217761_at	-2.74	-423	D
208864_s_at	-2.74	-422	
201963_at	-2.75	-421	
201543_s_at	-2.75	-420	
201619_at	-2.75	-419	
209076_s_at	-2.75	-418	
202308_at	-2.75	-417	
211404_s_at	-2.75	-416	
204340_at	-2.75	-415	
220980_s_at	-2.76	-414	
215952_s_at	-2.76	-413	
201791_s_at	-2.76	-412	
216308_x_at	-2.76	-411	
204231_s_at	-2.76	-410	
213061_s_at	-2.76	-409	
218652_s_at	-2.76	-408	
206656_s_at	-2.76	-407	
213190_at	-2.76	-406	
201923_at	-2.76	-405	
209605_at	-2.76	-404	
218192_at	-2.76	-403	
218872_at	-2.76	-402	
209114_at	-2.76	-401	D
218447_at	-2.77	-400	
202839_s_at	-2.77	-399	
207431_s_at	-2.77	-398	
214274_s_at	-2.77	-397	
215631_s_at	-2.77	-396	
204608_at	-2.77	-395	
216483_s_at	-2.77	-394	
218533_s_at	-2.77	-393	
221437_s_at	-2.77	-392	
208653_s_at	-2.78	-391	

【表 10 - 8】

217956_s_at	-2.78	-390	
211558_s_at	-2.78	-389	
204084_s_at	-2.78	-388	D
209825_s_at	-2.78	-387	
209130_at	-2.78	-386	
204160_s_at	-2.78	-385	
204017_at	-2.78	-384	
217930_s_at	-2.78	-383	
207168_s_at	-2.78	-382	
202525_at	-2.78	-381	
204985_s_at	-2.78	-380	
214112_s_at	-2.79	-379	
215779_s_at	-2.79	-378	D
218086_at	-2.79	-377	
214882_s_at	-2.79	-376	
214092_x_at	-2.79	-375	
219117_s_at	-2.79	-374	
202406_s_at	-2.79	-373	
203373_at	-2.79	-372	
217720_at	-2.79	-371	
210825_s_at	-2.79	-370	
218203_at	-2.79	-369	D
202477_s_at	-2.8	-368	
221512_at	-2.8	-367	
201338_x_at	-2.8	-366	
212116_at	-2.8	-365	
206352_s_at	-2.8	-364	
201066_at	-2.8	-363	
206302_s_at	-2.81	-362	
201740_at	-2.81	-361	
201284_s_at	-2.81	-360	
200805_at	-2.81	-359	
204387_x_at	-2.81	-358	
202130_at	-2.81	-357	
204295_at	-2.82	-356	
202708_s_at	-2.82	-355	
202428_x_at	-2.82	-354	
214107_x_at	-2.82	-353	
217803_at	-2.82	-352	
205329_s_at	-2.82	-351	
204616_at	-2.82	-350	
207721_x_at	-2.83	-349	
200598_s_at	-2.83	-348	
202429_s_at	-2.83	-347	
211052_s_at	-2.83	-346	
214214_s_at	-2.83	-345	D
209132_s_at	-2.83	-344	
213246_at	-2.84	-343	
219920_s_at	-2.84	-342	
203931_s_at	-2.84	-341	
204934_s_at	-2.84	-340	
209213_at	-2.84	-339	D

【表 10 - 9】

221567_at	-2.84	-338	
200620_at	-2.85	-337	
201033_x_at	-2.85	-336	
208826_x_at	-2.85	-335	
204386_s_at	-2.85	-334	
219061_s_at	-2.85	-333	
203042_at	-2.85	-332	
214455_at	-2.85	-331	D
201745_at	-2.85	-330	
212032_s_at	-2.85	-329	
74694_s_at	-2.85	-328	
201411_s_at	-2.86	-327	
213152_s_at	-2.86	-326	
209222_s_at	-2.86	-325	
205353_s_at	-2.86	-324	
213026_at	-2.86	-323	
205164_at	-2.87	-322	
212773_s_at	-2.87	-321	
214875_x_at	-2.87	-320	
204078_at	-2.87	-319	
203192_at	-2.87	-318	
210638_s_at	-2.87	-317	
214257_s_at	-2.87	-316	
211177_s_at	-2.87	-315	
200969_at	-2.87	-314	
222191_s_at	-2.88	-313	
201612_at	-2.88	-312	
218897_at	-2.88	-311	
210059_s_at	-2.88	-310	
210187_at	-2.88	-309	
208405_s_at	-2.89	-308	
218132_s_at	-2.89	-307	
202138_x_at	-2.89	-306	
207508_at	-2.9	-305	
219929_s_at	-2.9	-304	
218671_s_at	-2.9	-303	
207275_s_at	-2.9	-302	
220607_x_at	-2.9	-301	
202836_s_at	-2.9	-300	
205498_at	-2.9	-299	D
213379_at	-2.91	-298	
201714_at	-2.91	-297	
218555_at	-2.91	-296	
218327_s_at	-2.91	-295	
203031_s_at	-2.92	-294	
203892_at	-2.92	-293	
221972_s_at	-2.92	-292	
218101_s_at	-2.92	-291	
221582_at	-2.92	-290	
208918_s_at	-2.92	-289	
209113_s_at	-2.92	-288	
200740_s_at	-2.92	-287	

【表 1 0 - 1 0】

211475_s_at	-2.93	-286
208941_s_at	-2.93	-285
205241_at	-2.93	-284
210633_x_at	-2.93	-283
218636_s_at	-2.93	-282
212790_x_at	-2.93	-281
59625_at	-2.93	-280
218996_at	-2.93	-279
218150_at	-2.93	-278
200863_s_at	-2.93	-277
205133_s_at	-2.93	-276
203437_at	-2.94	-275
209844_at	-2.94	-274
210041_s_at	-2.94	-273
219575_s_at	-2.94	-272
203524_s_at	-2.94	-271
213129_s_at	-2.94	-270
203219_s_at	-2.94	-269
215090_x_at	-2.94	-268
208817_at	-2.95	-267
217835_x_at	-2.95	-266
218220_at	-2.95	-265
202550_s_at	-2.95	-264
210097_s_at	-2.96	-263
201135_at	-2.96	-262
219807_x_at	-2.96	-261
213287_s_at	-2.96	-260
218046_s_at	-2.96	-259
58696_at	-2.96	-258
219119_at	-2.96	-257
40225_at	-2.96	-256
217824_at	-2.96	-255
221610_s_at	-2.96	-254
211730_s_at	-2.96	-253
222138_s_at	-2.96	-252
219806_s_at	-2.96	-251
201913_s_at	-2.97	-250
208818_s_at	-2.97	-249
217080_s_at	-2.97	-248
209759_s_at	-2.97	-247
49679_s_at	-2.97	-246
202632_at	-2.97	-245
219065_s_at	-2.97	-244
213423_x_at	-2.97	-243
219283_at	-2.97	-242
36936_at	-2.98	-241
203686_at	-2.98	-240
221847_at	-2.98	-239
205489_at	-2.98	-238
202857_at	-2.98	-237
201955_at	-2.98	-236
218272_at	-2.98	-235

D

【 0 3 1 2】

【表 1 0 - 1 1】

65884_at	-2.99	-234
204599_s_at	-2.99	-233
220597_s_at	-3	-232
202424_at	-3	-231
221688_s_at	-3	-230
202077_at	-3.01	-229
208658_at	-3.01	-228
218328_at	-3.01	-227
205110_s_at	-3.02	-226
219862_s_at	-3.02	-225
222125_s_at	-3.02	-224
218647_s_at	-3.02	-223
203594_at	-3.02	-222
206055_s_at	-3.02	-221
201903_at	-3.02	-220
218582_at	-3.02	-219
208722_s_at	-3.03	-218
201128_s_at	-3.03	-217
217772_s_at	-3.04	-216
204238_s_at	-3.04	-215
211940_x_at	-3.04	-214
209796_s_at	-3.04	-213
218206_x_at	-3.04	-212
220526_s_at	-3.04	-211
201588_at	-3.05	-210
218436_at	-3.05	-209
220161_s_at	-3.05	-208
203397_s_at	-3.05	-207
203228_at	-3.05	-206
201490_s_at	-3.05	-205
219015_s_at	-3.06	-204
202838_at	-3.06	-203
51200_at	-3.06	-202
202718_at	-3.07	-201
215111_s_at	-3.07	-200
203606_at	-3.07	-199
209309_at	-3.08	-198
203189_s_at	-3.08	-197
217014_s_at	-3.08	-196
202154_x_at	-3.09	-195
201016_at	-3.09	-194
203190_at	-3.09	-193
218123_at	-3.09	-192
220966_x_at	-3.09	-191
209398_at	-3.1	-190
212411_at	-3.1	-189
202096_s_at	-3.1	-188
209104_s_at	-3.1	-187
212085_at	-3.1	-186
208837_at	-3.1	-185
217812_at	-3.1	-184
208929_x_at	-3.1	-183

【表 1 0 - 1 2】

204360_s_at	-3.11	-182
208856_x_at	-3.11	-181
213902_at	-3.11	-180
208654_s_at	-3.11	-179
211936_at	-3.12	-178
221255_s_at	-3.12	-177
212347_x_at	-3.12	-176
209391_at	-3.13	-175
203136_at	-3.13	-174
208821_at	-3.13	-173
216338_s_at	-3.13	-172
218188_s_at	-3.13	-171
221844_x_at	-3.14	-170
201192_s_at	-3.14	-169
208910_s_at	-3.14	-168
206303_s_at	-3.14	-167
213062_at	-3.14	-166
200970_s_at	-3.15	-165
216449_x_at	-3.15	-164
208783_s_at	-3.15	-163
202655_at	-3.15	-162
218358_at	-3.16	-161
221827_at	-3.16	-160
200700_s_at	-3.17	-159
210312_s_at	-3.17	-158
213041_s_at	-3.17	-157
218531_at	-3.18	-156
213285_at	-3.18	-155
215071_s_at	-3.19	-154
202286_s_at	-3.19	-153
214469_at	-3.2	-152
220757_s_at	-3.2	-151
218258_at	-3.2	-150
220934_s_at	-3.2	-149
218961_s_at	-3.21	-148
209161_at	-3.22	-147
202168_at	-3.22	-146
208546_x_at	-3.22	-145
208415_x_at	-3.22	-144
208977_x_at	-3.22	-143
201825_s_at	-3.22	-142
218194_at	-3.22	-141
201358_s_at	-3.23	-140
210010_s_at	-3.23	-139
200098_s_at	-3.23	-138
217927_at	-3.24	-137
220741_s_at	-3.24	-136
201119_s_at	-3.24	-135
218552_at	-3.24	-134
208750_s_at	-3.24	-133
208583_x_at	-3.24	-132
218112_at	-3.25	-131

【表 1 0 - 1 3】

219762_s_at	-3.25	-130	
218962_s_at	-3.25	-129	
210719_s_at	-3.25	-128	
219118_at	-3.25	-127	
203133_at	-3.26	-126	
202812_at	-3.26	-125	
209302_at	-3.26	-124	
202740_at	-3.26	-123	
214531_s_at	-3.27	-122	
205470_s_at	-3.28	-121	D
212685_s_at	-3.28	-120	
200654_at	-3.28	-119	
219049_at	-3.28	-118	
221732_at	-3.29	-117	
203517_at	-3.29	-116	
201096_s_at	-3.29	-115	
213931_at	-3.29	-114	D
208751_at	-3.3	-113	
203647_s_at	-3.3	-112	
202788_at	-3.31	-111	
208923_at	-3.31	-110	
218921_at	-3.33	-109	
218580_x_at	-3.33	-108	
209665_at	-3.34	-107	
205347_s_at	-3.34	-106	
200022_at	-3.34	-105	
217979_at	-3.35	-104	
202109_at	-3.36	-103	
218313_s_at	-3.37	-102	
208909_at	-3.37	-101	
201268_at	-3.38	-100	
213988_s_at	-3.38	-99	D
207157_s_at	-3.38	-98	
204331_s_at	-3.39	-97	
209404_s_at	-3.39	-96	
209806_at	-3.39	-95	
204175_at	-3.4	-94	
201359_at	-3.4	-93	
220094_s_at	-3.41	-92	
213315_x_at	-3.41	-91	
218070_s_at	-3.41	-90	
210386_s_at	-3.42	-89	
208726_s_at	-3.43	-88	
202941_at	-3.43	-87	
213897_s_at	-3.45	-86	
204862_s_at	-3.45	-85	
200093_s_at	-3.45	-84	D
209123_at	-3.45	-83	
202427_s_at	-3.46	-82	D
203582_s_at	-3.46	-81	
204088_at	-3.46	-80	
220495_s_at	-3.46	-79	

【 0 3 1 5】

【表 10 - 14】

210592_s_at	-3.48	-78	
208734_x_at	-3.49	-77	
46323_at	-3.49	-76	D
211574_s_at	-3.49	-75	
210667_s_at	-3.49	-74	
217940_s_at	-3.49	-73	
200044_at	-3.5	-72	
201704_at	-3.5	-71	
204034_at	-3.51	-70	
212527_at	-3.51	-69	
208490_x_at	-3.51	-68	
203415_at	-3.51	-67	
202297_s_at	-3.52	-66	
200820_at	-3.52	-65	
52940_at	-3.52	-64	
201758_at	-3.53	-63	
209420_s_at	-3.53	-62	
201944_at	-3.53	-61	
212739_s_at	-3.53	-60	
201489_at	-3.53	-59	
218387_s_at	-3.54	-58	
222209_s_at	-3.55	-57	
200670_at	-3.56	-56	
203372_s_at	-3.57	-55	
202418_at	-3.59	-54	
36554_at	-3.59	-53	
210434_x_at	-3.59	-52	
202996_at	-3.6	-51	
212961_x_at	-3.66	-50	
218898_at	-3.66	-49	
218388_at	-3.68	-48	
207805_s_at	-3.68	-47	
202120_x_at	-3.69	-46	
217995_at	-3.7	-45	D
208579_x_at	-3.7	-44	
208074_s_at	-3.7	-43	
200681_at	-3.73	-42	
201849_at	-3.73	-41	D
200656_s_at	-3.73	-40	D
209149_s_at	-3.74	-39	
202475_at	-3.76	-38	
208527_x_at	-3.77	-37	
204319_s_at	-3.78	-36	D
205593_s_at	-3.78	-35	
219188_s_at	-3.78	-34	
203430_at	-3.78	-33	
200075_s_at	-3.78	-32	D
207023_x_at	-3.79	-31	
216295_s_at	-3.81	-30	
204392_at	-3.82	-29	
222067_x_at	-3.82	-28	
200048_s_at	-3.84	-27	D

【表 1 0 - 1 5】

200971_s_at	-3.87	-26	
217744_s_at	-3.89	-25	
200065_s_at	-3.9	-24	
211047_x_at	-3.92	-23	
201410_at	-3.93	-22	
201201_at	-3.95	-21	
218280_x_at	-3.95	-20	
214290_s_at	-3.97	-19	D
201848_s_at	-4	-18	
207549_x_at	-4.02	-17	D
201264_at	-4.05	-16	D
202929_s_at	-4.07	-15	D
200846_s_at	-4.09	-14	D
201953_at	-4.09	-13	
212280_x_at	-4.09	-12	
202041_s_at	-4.1	-11	
218592_s_at	-4.2	-10	
201079_at	-4.24	-9	D
213166_x_at	-4.25	-8	
202671_s_at	-4.28	-7	
204903_x_at	-4.43	-6	
203663_s_at	-4.49	-5	D
212995_x_at	-4.67	-4	D
217871_s_at	-4.97	-3	D
201106_at	-5.02	-2	
202296_s_at	-5.11	-1	D

【 0 3 1 7】

【表 1 1】

表 11: 前立腺癌の再発に関する
4 3 遺伝子分類子

Affymetrix	
番号	
210986_s_at	
201022_s_at	
200795_at	
202274_at	
218509_at	D
201497_x_at	
220587_s_at	
201891_s_at	
209074_s_at	D
200897_s_at	
202296_s_at	D
202432_at	
201106_at	
221667_s_at	
217871_s_at	D
208579_x_at	
200974_at	
201431_s_at	
221958_s_at	
209288_s_at	
203951_at	
216231_s_at	
201540_at	
207430_s_at	D
207480_s_at	
202994_s_at	
212995_x_at	D
209763_at	
217897_at	D
202228_s_at	
209948_at	D
218418_s_at	
212077_at	
205011_at	
209286_at	
208490_x_at	
209806_at	
208527_x_at	
202555_s_at	
208676_s_at	D
210987_x_at	
203663_s_at	D
202350_s_at	

【 0 3 1 8 】

【表 1 2 - 1】

表 12: 検出可能な腫瘍細胞を持たない、前立腺の領域からのサンプルのみを含む、直線回帰によって計算された、再発患者の前立腺間質細胞において、ダウンレギュレートされたとして同定されたトップ 1 4 4 遺伝子。

Affymetrix 番号	T 統計値	ランク	
211047_x_at	-5.79	1	
201106_at	-5.18	2	
208074_s_at	-5.05	3	
202120_x_at	-4.82	4	
212280_x_at	-4.68	5	
202296_s_at	-4.45	6	D
211404_s_at	-4.37	7	
201201_at	-4.34	8	
208923_at	-4.26	9	
204903_x_at	-4.21	10	
210010_s_at	-4.08	11	
208929_x_at	-3.96	12	
52940_at	-3.93	13	
202041_s_at	-3.9	14	
210719_s_at	-3.89	15	
212995_x_at	-3.87	16	D
202671_s_at	-3.85	17	
218552_at	-3.83	18	
217930_s_at	-3.8	19	
203663_s_at	-3.79	20	D
200075_s_at	-3.76	21	D
217744_s_at	-3.73	22	

【 0 3 1 9】

【表 1 2 - 2】

207023_x_at	-3.72	23	
201848_s_at	-3.69	24	
208726_s_at	-3.69	25	
218388_at	-3.68	26	
212961_x_at	-3.67	27	
200656_s_at	-3.66	28	D
217871_s_at	-3.66	29	D
220757_s_at	-3.63	30	
213624_at	-3.61	31	
202096_s_at	-3.6	32	
209113_s_at	-3.6	33	
221972_s_at	-3.59	34	
221566_s_at	-3.59	35	
202929_s_at	-3.59	36	D
208702_x_at	-3.59	37	
201953_at	-3.57	38	
201119_s_at	-3.57	39	
202996_at	-3.57	40	
201520_s_at	-3.57	41	
219929_s_at	-3.54	42	
214875_x_at	-3.54	43	
209420_s_at	-3.53	44	
201587_s_at	-3.5	45	
201489_at	-3.49	46	
213897_s_at	-3.47	47	
208751_at	-3.45	48	
203517_at	-3.45	49	
204360_s_at	-3.43	50	
201490_s_at	-3.42	51	
201264_at	-3.42	52	D
214882_s_at	-3.41	53	
208669_s_at	-3.4	54	
213931_at	-3.39	55	D
219119_at	-3.37	56	
36554_at	-3.37	57	
202424_at	-3.36	58	
218387_s_at	-3.36	59	
217716_s_at	-3.35	60	
221567_at	-3.35	61	
210097_s_at	-3.33	62	
59625_at	-3.33	63	
207805_s_at	-3.33	64	
213166_x_at	-3.31	65	
212085_at	-3.3	66	
215952_s_at	-3.3	67	
218592_s_at	-3.3	68	
216308_x_at	-3.29	69	
213061_s_at	-3.29	70	
209472_at	-3.28	71	
202308_at	-3.28	72	
208909_at	-3.27	73	
208787_at	-3.27	74	

【表 1 2 - 3】

204238_s_at	-3.27	75	
207157_s_at	-3.27	76	
204981_at	-3.26	77	
209407_s_at	-3.26	78	
218921_at	-3.25	79	
208734_x_at	-3.25	80	
208928_at	-3.25	81	
40225_at	-3.24	82	
210386_s_at	-3.24	83	
220607_x_at	-3.23	84	
212347_x_at	-3.23	85	
217940_s_at	-3.23	86	
210667_s_at	-3.22	87	
200637_s_at	-3.22	88	
41047_at	-3.22	89	
201705_at	-3.21	90	
200022_at	-3.2	91	
209222_s_at	-3.2	92	
218070_s_at	-3.19	93	
212191_x_at	-3.19	94	
222191_s_at	-3.18	95	
203647_s_at	-3.18	96	
203571_s_at	-3.18	97	
200065_s_at	-3.17	98	
208750_s_at	-3.16	99	
201192_s_at	-3.16	100	
208024_s_at	-3.15	101	
204608_at	-3.15	102	
204034_at	-3.15	103	
209149_s_at	-3.14	104	
218150_at	-3.13	105	
201849_at	-3.13	106	D
218132_s_at	-3.13	107	
1729_at	-3.13	108	
203372_s_at	-3.11	109	
220597_s_at	-3.1	110	
209217_s_at	-3.1	111	
214274_s_at	-3.09	112	
218289_s_at	-3.09	113	
210130_s_at	-3.09	114	
209076_s_at	-3.09	115	
202812_at	-3.08	116	
202736_s_at	-3.08	117	
204392_at	-3.08	118	
203582_s_at	-3.07	119	
217912_at	-3.07	120	
201079_at	-3.07	121	D
201095_at	-3.07	122	
218652_s_at	-3.07	123	
208918_s_at	-3.06	124	
219188_s_at	-3.06	125	
51200_at	-3.06	126	

【表 1 2 - 4】

200710_at	-3.05	127	D
213062_at	-3.05	128	
200846_s_at	-3.04	129	
218188_s_at	-3.04	130	
213287_s_at	-3.04	131	
202737_s_at	-3.03	132	
212782_x_at	-3.03	133	
214494_s_at	-3.03	134	
221850_x_at	-3.03	135	
203430_at	-3.02	136	
204862_s_at	-3.02	137	
200654_at	-3.02	138	
200852_x_at	-3.02	139	
201704_at	-3.02	140	
217014_s_at	-3.01	141	
206469_x_at	-3	142	
202139_at	-3	143	
216862_s_at	-3	144	

【 0 3 2 2 】

【表 1 3 - 1】

表 13: 検出可能な腫瘍細胞を持たない、前立腺
の領域からのサンプルのみを含む、
再発患者の前立腺間質
において、アップレギュレートされたとして
同定されたトップ 100 遺伝子。

Affymetrix 番号	T 統計値	ランク	
204951_at	4.73	1	
204795_at	4.64	2	
51774_s_at	4.54	3	
205456_at	4.52	4	
211323_s_at	4.51	5	D
201320_at	4.28	6	
204436_at	4.05	7	
205988_at	3.98	8	
212076_at	3.97	9	
218525_s_at	3.94	10	
209671_x_at	3.89	11	
211991_s_at	3.73	12	
205405_at	3.69	13	
58900_at	3.66	14	
210038_at	3.65	15	
211599_x_at	3.59	16	
207834_at	3.55	17	
204901_at	3.53	18	
209616_s_at	3.49	19	D
217187_at	3.48	20	
219812_at	3.47	21	
211123_at	3.44	22	
209582_s_at	3.42	23	D
211902_x_at	3.42	24	
221486_at	3.41	25	
219035_s_at	3.39	26	

【 0 3 2 3 】

【表 1 3 - 2】

210972_x_at	3.38	27	
201080_at	3.38	28	
219877_at	3.37	29	
208598_s_at	3.35	30	
209670_at	3.35	31	
218581_at	3.34	32	
210072_at	3.33	33	D
215826_x_at	3.33	34	
213193_x_at	3.3	35	
202501_at	3.3	36	
207648_at	3.29	37	
204562_at	3.29	38	
207691_x_at	3.24	39	
64064_at	3.23	40	
211203_s_at	3.23	41	
214760_at	3.22	42	
204341_at	3.21	43	D
206053_at	3.21	44	
202401_s_at	3.21	45	
204852_s_at	3.21	46	
200610_s_at	3.21	47	
202964_s_at	3.2	48	
205011_at	3.19	49	
202809_s_at	3.18	50	
38521_at	3.18	51	
209062_x_at	3.16	52	
211504_x_at	3.16	53	
208306_x_at	3.15	54	
217362_x_at	3.15	55	
212151_at	3.15	56	
212100_s_at	3.14	57	
214738_s_at	3.14	58	
202578_s_at	3.14	59	
204882_at	3.14	60	
204563_at	3.13	61	D
213386_at	3.13	62	
206105_at	3.13	63	
211796_s_at	3.13	64	
212713_at	3.13	65	D
217418_x_at	3.12	66	
204116_at	3.11	67	
211710_x_at	3.1	68	
204640_s_at	3.1	69	
213370_s_at	3.09	70	
214694_at	3.08	71	
210444_at	3.08	72	
218338_at	3.08	73	
206767_at	3.08	74	
209473_at	3.08	75	
203157_s_at	3.07	76	
200064_at	3.07	77	
212972_x_at	3.07	78	

【表 1 3 - 3】

215592_at	3.06	79	
210915_x_at	3.06	80	
205821_at	3.05	81	
213831_at	3.04	82	
214928_at	3.04	83	
209057_x_at	3.03	84	D
208459_s_at	3.03	85	
213958_at	3.02	86	
207547_s_at	3	87	
215946_x_at	2.99	88	
210356_x_at	2.99	89	
214450_at	2.99	90	
204229_at	2.98	91	
200621_at	2.98	92	D
208227_x_at	2.97	93	
215762_at	2.96	94	
38149_at	2.96	95	
217925_s_at	2.95	96	
215379_x_at	2.95	97	
71933_at	2.94	98	
211269_s_at	2.93	99	
206180_x_at	2.91	100	

【 0 3 2 5】

【表 1 4】

表 14. 早期再発前立腺癌の統計学的に異なって発現した遺伝子において発見された、進行性前立腺癌中での異なった発現と関連した35(固有ではない) 遺伝子のリスト (表9および10を参照)

セット名	148_rs_btsg_regcoeff_tstats_nam_Name
211323_s_at	イノシトール 1, 4, 5-三リン酸レセプター、1型
208579_x_at	ヒストン 1, H2bk
208490_x_at	ヒストン 1, H2bf
209806_at	ヒストン 1, H2bk
209844_at	ホメオボックス B13
222067_x_at	ヒストン 1, H2bd
201893_x_at	デコリン
202401_s_at	血清応答因子 (c-fos 血清応答エレメント-結合転写因子)
202525_at	プロテアーゼ、セリン、8 (プロスタシン)
204934_s_at	ヘプシン(膜貫通プロテアーゼ、セリン1)
207547_s_at	TU3A タンパク質
208527_x_at	ヒストン 1, H2be
218186_at	RAB25, 膜RASオンコジーンファミリー
200621_at	システインおよびグリシン-リッチタンパク質 1
208789_at	ポリメラーゼ I および転写放出因子
212713_at	ミクロフィブリル関連タンパク質 4
205011_at	異型接合性の欠損、11、染色体領域2、遺伝子A
208546_x_at	ヒストン 1, H2bh
209473_at	エクトヌクレオシド三リン酸ジホスホヒドロラーゼ 1
209696_at	フルクトース-1, 6-ビスホスファターゼ 1
221958_s_at	仮想タンパク質 FLJ23091
200953_s_at	サイクリン D2
200852_x_at	グアニン-ヌクレオチド結合タンパク質 (Gタンパク質)、 β ポリペプチド 2
202074_s_at	オブティニューリン
206491_s_at	N-エチルマレイミド感受性因子結合タンパク質、 α
208751_at	N-エチルマレイミド感受性因子結合タンパク質、 α
204754_at	肝白血因子
200795_at	SPARC様 1 (mast 9、ヘビン)
200974_at	アクチン、 $\alpha 2$ 、平滑筋、大動脈
202041_s_at	線維芽細胞成長因子 (酸性) 細胞内結合タンパク質
202501_at	微小管関連タンパク質、RP/EBファミリー、膜 2
202545_at	プロテインキナーゼ C、 δ
209297_at	インターセクチン 1 (SH3ドメインタンパク質)
202758_s_at	調節因子X関連アンキリン含有タンパク質

(表 1 5)

プローブID	プローブに対する配列ID
遺伝子に対する配列ID	遺伝子名
1487_at	1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16
35580	ESRRA; エストロゲン関連 レセプター α
1598_g_at	17, 18, 19, 20, 21, 22, 23, 24, 25, 26, 27, 28, 29, 30, 31, 32
35581	GAS6; 成長停止特異的 6
1729_at	33, 34, 35, 36, 37, 38, 39, 40, 41, 42, 43, 44, 45, 46, 47, 48
35582	TRADD; 死ドメインを介するTNFRSF1A関連
200003_s_at	49, 50, 51, 52, 53, 54, 55, 56, 57, 58, 59

35583	RPL28; リボソームタンパク質 L28
200008_s_at	60,61,62,63,64,65,66,67,68,69,70
35584	GDI2; GDP 解離インヒビター 2
200015_s_at	71,72,73,74,75,76,77,78,79,80,81
35585	NEDD5; 神経前駆細胞発現, 重度にダウンレギュレートさ
れた 5	
200022_at	82,83,84,85,86,87,88,89,90,91,92
35586	RPL18; リボソームタンパク質 L18
200024_at	93,94,95,96,97,98,99,100,101,102,103
35587	
200044_at	104,105,106,107,108,109,110,111,112,113,114
35588	SFRS9; スプライシング因子, アルギニン/セリ
ンリッチ 9	
200048_s_at	115,116,117,118,119,120,121,122,123,124,125
35589	JTB; ジャンピング転座 ブレークポイント
200052_s_at	126,127,128,129,130,131,132,133,134,135,136
35590	ILF2; インターロイキンエンハンサー 結合因
子 2,45kDa	
200055_at	137,138,139,140,141,142,143,144,145,146,147
35591	TAF10; TAF10 RNA ポリメラーゼ II, TATAボッ
クス 結合タンパク質 (TBP)関連因子, 30kDa	
200059_s_at	148,149,150,151,152,153,154,155,156,157,158
35592	RHOA; ras ホモログ 遺伝子ファミリー, メン
バーA	
200065_s_at	159,160,161,162,163,164,165,166,167,168,169
35593	ARF1; ADPリボシル化因子 1
200066_at	170,171,172,173,174,175,176,177,178,179,180
35594	IK; IK サイトカイン, HLA IIのダウンレギュレ
ーター	
200068_s_at	181,182,183,184,185,186,187,188,189,190,191
35595	CANX; カルネキシン
200074_s_at	192,193,194,195,196,197,198,199,200,201,202
35596	RPL14; リボソームタンパク質 L14
200075_s_at	203,204,205,206,207,208,209,210,211,212,213
35597	GUK1; グアニル酸 キナーゼ 1
200078_s_at	214,215,216,217,218,219,220,221,222,223,224
35598	ATP6V0B; ATPase, H ⁺ 輸送, リソソーム 21kD
a, V0 サブユニットc''	
200082_s_at	225,226,227,228,229,230,231,232,233,234,235
35599	RPS7; リボソームタンパク質 S7
200093_s_at	236,237,238,239,240,241,242,243,244,245,246
35600	HINT1; ヒスチジン三連ヌクレオチド 結合タ
ンパク質 1	
200098_s_at	247,248,249,250,251,252,253,254,255,256,257
35601	ANAPC5; 後期促進複合体 サブユニット 5
200598_s_at	258,259,260,261,262,263,264,265,266,267,268
35602	TRA1; 腫瘍拒絶抗原 (gp96) 1
200600_at	269,270,271,272,273,274,275,276,277,278,279
35603	MSN; モエシン
200601_at	280,281,282,283,284,285,286,287,288,289,290

35604	ACTN4; アクチニン, α 4
200604_s_at	291,292,293,294,295,296,297,298,299,300,301
35605	PRKAR1A; タンパク質 キナーゼ, cAMP依存性, 調節性, I型, α (組織特異的 消失体 1)
200606_at	302,303,304,305,306,307,308,309,310,311,312
35606	DSP; デスモブラキン
200609_s_at	313,314,315,316,317,318,319,320,321,322,323
35607	WDR1; WD 繰り返しドメイン 1
200610_s_at	324,325,326,327,328,329,330,331,332,333,334
35608	NCL; ヌクレオリン
200611_s_at	335,336,337,338,339,340,341,342,343,344,345
35609	WDR1; WD 繰り返しドメイン 1
200615_s_at	346,347,348,349,350,351,352,353,354,355,356
35610	AP2B1; アダプター関連 タンパク質複合体 2, β 1 サブユニット
200618_at	357,358,359,360,361,362,363,364,365,366,367
35611	LASP1; LIMおよびSH3 タンパク質 1
200620_at	368,369,370,371,372,373,374,375,376,377,378
35612	Clorf8; 染色体 1 オープンリーディングフレーム 8
200621_at	379,380,381,382,383,384,385,386,387,388,389
35613	CSRPI; システインおよびグリシンリッチ タンパク質 1
200622_x_at	390,391,392,393,394,395,396,397,398,399,400
35614	CALM3; カルモジュリン 3 (ホスホリラーゼ キナーゼ, δ)
200624_s_at	401,402,403,404,405,406,407,408,409,410,411
35615	MATR3; マトリン 3
200625_s_at	412,413,414,415,416,417,418,419,420,421,422
35616	CAP1; CAP, アデニル酸シクラーゼ関連 タンパク質 1 (酵母)
200627_at	423,424,425,426,427,428,429,430,431,432,433
35617	TEBP; 不活性 プロゲステロンレセプター, 23 kD
200633_at	434,435,436,437,438,439,440,441,442,443,444
35618	UBB; ユビキチン B
200636_s_at	445,446,447,448,449,450,451,452,453,454,455
35619	PTPRF; タンパク質 チロシン ホスファターゼ, レセプター type, F
200637_s_at	456,457,458,459,460,461,462,463,464,465,466
35620	PTPRF; タンパク質 チロシン ホスファターゼ, レセプター type, F
200638_s_at	467,468,469,470,471,472,473,474,475,476,477
35621	YWHAZ; チロシン 3-モノオキシゲナーゼ/トリプトファン 5-モノオキシゲナーゼ活性化タンパク質, ζ ポリペプチド
200641_s_at	478,479,480,481,482,483,484,485,486,487,488
35622	YWHAZ; チロシン 3-モノオキシゲナーゼ/トリプトファン 5-モノオキシゲナーゼ活性化タンパク質, ζ ポリペプチド
200644_at	489,490,491,492,493,494,495,496,497,498,499
35623	MLP; MARCKS様 タンパク質

200652_at	500,501,502,503,504,505,506,507,508,509,510
35624	SSR2; シグナル配列 レセプター, β (トランス
ロコン関連 タンパク質 β)	
200654_at	511,512,513,514,515,516,517,518,519,520,521
35625,35626	P4HB; プロコラーゲン-プロリン, 2-オキ
ソグルタル酸 4-ジオキシゲナーゼ(プロリン4-ヒドロキシラーゼ), β ポリペプチド (タ	
ンパク質 ジスルフィドイソメラーゼ; 甲状腺ホルモン 結合タンパク質 p55)	
200656_s_at	522,523,524,525,526,527,528,529,530,531,532
35627,35628	P4HB; プロコラーゲン-プロリン, 2-オ
キシソグルタル酸4-ジオキシゲナーゼ(プロリン4-ヒドロキシラーゼ), β ポリペプチド (	
タンパク質 ジスルフィドイソメラーゼ; 甲状腺ホルモン 結合タンパク質 p55)	
200657_at	533,534,535,536,537,538,539,540,541,542,543
35629	SLC25A5; 溶質キャリアファミリー 25 (ミトコ
ンドリア キャリア; アデニンヌクレオチド輸送体), メンバー5	
200665_s_at	544,545,546,547,548,549,550,551,552,553,554
35630	SPARC; 分泌タンパク質, 酸性, システインリ
ッチ (オステオネクチン)	
200669_s_at	555,556,557,558,559,560,561,562,563,564,565
35631	UBE2D3; ユビキチン-結合酵素 E2D 3 (UBC4/5
ホモログ, 酵母)	
200670_at	566,567,568,569,570,571,572,573,574,575,576
35632	XBP1; Xボックス 結合タンパク質 1
200671_s_at	577,578,579,580,581,582,583,584,585,586,587
35633	SPTBN1; スペクトリン, β , 非赤血球 1
200672_x_at	588,589,590,591,592,593,594,595,596,597,598
35634	SPTBN1; スペクトリン, β , 非赤血球 1
200673_at	599,600,601,602,603,604,605,606,607,608,609
35635	LAPTM4A; リソソーム関連 タンパク質 膜貫通 4
α	
200674_s_at	610,611,612,613,614,615,616,617,618,619,620
35636	RPL32; リボソームタンパク質 L32
200681_at	621,622,623,624,625,626,627,628,629,630,631
35637	GL01; グリオキサラーゼ I
200686_s_at	632,633,634,635,636,637,638,639,640,641,642
35638	SFRS11; スプライシング因子, アルギニン/セ
リンリッチ 11	
200693_at	643,644,645,646,647,648,649,650,651,652,653
35639	YWHAQ; チロシン 3-モノオキシゲナーゼ/トリブ
トファン 5-モノオキシゲナーゼ活性化タンパク質, θ ホモログ	
200694_s_at	654,655,656,657,658,659,660,661,662,663,664
35640	DDX24; DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp)ボックス ポ
リペプチド 24	
200695_at	665,666,667,668,669,670,671,672,673,674,675
35641	PPP2R1A; タンパク質 ホスファターゼ 2 (以前
は 2A), 調節サブユニットA (PR 65), α アイソフォーム	
200696_s_at	676,677,678,679,680,681,682,683,684,685,686
35642	GSN; ゲルソリン (アミロイドーシス, Finnis
h型)	
200698_at	687,688,689,690,691,692,693,694,695,696,697
35643	KDEL2; KDEL (Lys-Asp-Glu-Leu) 小胞体 タン

パク質 保持 レセプター 2		
200700_s_at	35644	698,699,700,701,702,703,704,705,706,707,708 KDELR2; KDEL (Lys-Asp-Glu-Leu) 小胞体 タ
ンパク質 保持 レセプター 2		
200710_at	35645	709,710,711,712,713,714,715,716,717,718,719 ACADVL; アシル-補酵素 A デヒドロゲナーゼ,
超長鎖		
200712_s_at	35646	720,721,722,723,724,725,726,727,728,729,730 MAPRE1; 微小管関連 タンパク質, RP/EBファ
ミリー, メンバー1		
200713_s_at	35647	731,732,733,734,735,736,737,738,739,740,741 MAPRE1; 微小管関連 タンパク質, RP/EBファ
ミリー, メンバー1		
200715_x_at	35648	742,743,744,745,746,747,748,749,750,751,752 RPL13A; リボソームタンパク質 L13a
200720_s_at	35649	753,754,755,756,757,758,759,760,761,762,763 ACTR1A; ARP1 アクチン関連 タンパク質 1 ホ
モログ A, セントラクチン α (酵母)		
200722_s_at	35650	764,765,766,767,768,769,770,771,772,773,774 M11S1; 膜成分, 染色体 11, 表面マーカー 1
200723_s_at	35651	775,776,777,778,779,780,781,782,783,784,785 M11S1; 膜成分, 染色体 11, 表面マーカー 1
200728_at	35652	786,787,788,789,790,791,792,793,794,795,796 ACTR2; ARP2 アクチン関連 タンパク質 2 ホモ
ログ (酵母)		
200739_s_at	35653	797,798,799,800,801,802,803,804,805,806,807 SUMO3; mif two 3 ホモログ 3のSMT3抑制因子
(酵母)		
200740_s_at	35654	808,809,810,811,812,813,814,815,816,817,818 SUMO3; mif two 3 ホモログ 3のSMT3抑制因子
(酵母)		
200744_s_at	35655	819,820,821,822,823,824,825,826,827,828,829 GNB1; グアニンヌクレオチド 結合タンパク質
(G タンパク質), β ポリペプチド 1		
200750_s_at	35656	830,831,832,833,834,835,836,837,838,839,840 RAN; RAN, メンバー-RAS オンコジーンファミ
リー		
200755_s_at	35657	841,842,843,844,845,846,847,848,849,850,851 CALU; カルメニン
200756_x_at	35658	852,853,854,855,856,857,858,859,860,861,862 CALU; カルメニン
200757_s_at	35659	863,864,865,866,867,868,869,870,871,872,873 CALU; カルメニン
200758_s_at	35660	874,875,876,877,878,879,880,881,882,883,884 NFE2L1; 核因子 (赤血球由来 2)様 1
200762_at	35661	885,886,887,888,889,890,891,892,893,894,895 DPYSL2; ジヒドロピリミジナーゼ様 2
200770_s_at	35662	896,897,898,899,900,901,902,903,904,905,906 LAMC1; ラミニン, γ 1 (以前は LAMB2)
200771_at		907,908,909,910,911,912,913,914,915,916,917

35663	LAMC1; ラミニン, γ 1 (以前は LAMB2)
200777_s_at	918,919,920,921,922,923,924,925,926,927,928
35664	BZW1; 塩基性 ロイシンジッパーおよびW2ドメ
イン 1	
200778_s_at	929,930,931,932,933,934,935,936,937,938,939
35665	NEDD5; 神経前駆細胞発現, 重度にダウンレギ
ュレートされた 5	
200784_s_at	940,941,942,943,944,945,946,947,948,949,950
35666	LRP1; 低密度リポタンパク質関連 タンパク質
1 (α -2-マクログロブリンレセプター)	
200788_s_at	951,952,953,954,955,956,957,958,959,960,961
35667	PEA15; 星状細胞で富むリンタンパク質 15
200790_at	962,963,964,965,966,967,968,969,970,971,972
35668	ODC1; オルニチン脱炭酸酵素 1
200791_s_at	973,974,975,976,977,978,979,980,981,982,983
35669	IQGAP1; IQモチーフ含有GTPase活性化タンパ
ク質 1	
200795_at	984,985,986,987,988,989,990,991,992,993,994
35670	SPARCL1; SPARC様 1 (マスト9, ヘビン)
200801_x_at	995,996,997,998,999,1000,1001,1002,1003,1004,1005
35671	ACTB; アクチン, β
200803_s_at	1006,1007,1008,1009,1010,1011,1012,1013,1014,1015
,1016	35672
AX インヒビター 1)	TEGT; 精巣増強遺伝子 転写物 (B
200805_at	1017,1018,1019,1020,1021,1022,1023,1024,1025,1026,1
027	35673
2	LMAN2; レクチン, マンノース結合
200806_s_at	1028,1029,1030,1031,1032,1033,1034,1035,1036,1037
,1038	35674
ンパク質 1 (シャペロニン)	HSPD1; ヒートショック 60kDa タ
200807_s_at	1039,1040,1041,1042,1043,1044,1045,1046,1047,1048
,1049	35675
ンパク質 1 (シャペロニン)	HSPD1; ヒートショック 60kDa タ
200808_s_at	1050,1051,1052,1053,1054,1055,1056,1057,1058,1059
,1060	35676
200810_s_at	1061,1062,1063,1064,1065,1066,1067,1068,1069,1070
,1071	35677
タンパク質	CIRBP; cold inducible RNA 結合
200812_at	1072,1073,1074,1075,1076,1077,1078,1079,1080,1081,1
082	35678
ユニット 7(eta)	CCT7; シャペロニン含有TCP1, サブ
200813_s_at	1083,1084,1085,1086,1087,1088,1089,1090,1091,1092
,1093	35679
セチルヒドロラーゼ,アイソフォーム Ib, α サブユニット 45kDa	PAFAH1B1; 血小板活性化因子 ア
200816_s_at	1094,1095,1096,1097,1098,1099,1100,1101,1102,1103
,1104	35680
セチルヒドロラーゼ,アイソフォーム Ib, α サブユニット 45kDa	PAFAH1B1; 血小板活性化因子 ア
200819_s_at	1105,1106,1107,1108,1109,1110,1111,1112,1113,1114
,1115	35681
5	RPS15; リボソームタンパク質 S1

200820_at	1116,1117,1118,1119,1120,1121,1122,1123,1124,1125,1	
126	35682	PSMD8; プロテアソーム (プロソーム, マクロペイン)26S サブユニット, 非ATPase, 8
200822_x_at	1127,1128,1129,1130,1131,1132,1133,1134,1135,1136	
,1137	35683	TPI1; トリオースホスフェート
イソメラーゼ 1		
200823_x_at	1138,1139,1140,1141,1142,1143,1144,1145,1146,1147	
,1148	35684	RPL29; リボソームタンパク質 L2
9		
200831_s_at	1149,1150,1151,1152,1153,1154,1155,1156,1157,1158	
,1159	35685	SCD; ステアリン酸-CoA 不飽和化酵素 (δ-9-不飽和化酵素)
200835_s_at	1160,1161,1162,1163,1164,1165,1166,1167,1168,1169	
,1170	35686	MAP4; 微小管関連 タンパク質 4
200836_s_at	1171,1172,1173,1174,1175,1176,1177,1178,1179,1180	
,1181	35687	MAP4; 微小管関連 タンパク質 4
200840_at	1182,1183,1184,1185,1186,1187,1188,1189,1190,1191,1	
192	35688	KARS; リシル-tRNA シンテターゼ
200843_s_at	1193,1194,1195,1196,1197,1198,1199,1200,1201,1202	
,1203	35689	EPRS; グルタミル-プロリル-tRNA
シンテターゼ		
200844_s_at	1204,1205,1206,1207,1208,1209,1210,1211,1212,1213	
,1214	35690	PRDX6; ペルオキシレドキシン 6
200846_s_at	1215,1216,1217,1218,1219,1220,1221,1222,1223,1224	
,1225	35691	PPP1CA; タンパク質 ホスファターゼ 1, 触媒性サブユニット, α アイソフォーム
200847_s_at	1226,1227,1228,1229,1230,1231,1232,1233,1234,1235	
,1236	35692	MGC8721; 仮想タンパク質 MGC8721
1		
200852_x_at	1237,1238,1239,1240,1241,1242,1243,1244,1245,1246	
,1247	35693	GNB2; グアニンヌクレオチド 結合タンパク質 (Gタンパク質), β ポリペプチド 2
200853_at	1248,1249,1250,1251,1252,1253,1254,1255,1256,1257,1	
258	35694	H2AFZ; H2A ヒストンファミリー, メンバーZ
200859_x_at	1259,1260,1261,1262,1263,1264,1265,1266,1267,1268	
,1269	35695	FLNA; フィラミン A, α (アクチン 結合タンパク質280)
200863_s_at	1270,1271,1272,1273,1274,1275,1276,1277,1278,1279	
,1280	35696	RAB11A; RAB11A, メンバーRAS オンコジーンファミリー
200877_at	1281,1282,1283,1284,1285,1286,1287,1288,1289,1290,1	
291	35697	CCT4; シャペロニン含有TCP1, サブユニット 4 (δ)
200878_at	1292,1293,1294,1295,1296,1297,1298,1299,1300,1301,1	
302	35698	EPAS1; 内皮PASドメイン タンパク質 1
200879_s_at	1303,1304,1305,1306,1307,1308,1309,1310,1311,1312	
,1313	35699	EPAS1; 内皮PASドメイン タンパク質 1

200884_at	1314,1315,1316,1317,1318,1319,1320,1321,1322,1323,1
324	35700 CKB; クレアチン キナーゼ, 脳
200886_s_at	1325,1326,1327,1328,1329,1330,1331,1332,1333,1334
,1335	35701 PGAM1; ホスホグリセリン酸ムタ
ーゼ 1 (脳)	
200889_s_at	1336,1337,1338,1339,1340,1341,1342,1343,1344,1345
,1346	35702 SSR1; シグナル配列 レセプター,
α (翻訳関連 タンパク質 α)	
200894_s_at	1347,1348,1349,1350,1351,1352,1353,1354,1355,1356
,1357	35703 FKBP4; FK506 結合タンパク質 4,
59kDa	
200895_s_at	1358,1359,1360,1361,1362,1363,1364,1365,1366,1367
,1368	35704 FKBP4; FK506 結合タンパク質 4,
59kDa	
200897_s_at	1369,1370,1371,1372,1373,1374,1375,1376,1377,1378
,1379	35705 KIAA0992; パラディン
200898_s_at	1380,1381,1382,1383,1384,1385,1386,1387,1388,1389
,1390	35706 MGEA5; 髄膜腫発現抗原 5 (ヒア
ルロニダーゼ)	
200899_s_at	1391,1392,1393,1394,1395,1396,1397,1398,1399,1400
,1401	35707 MGEA5; 髄膜腫発現抗原 5 (ヒア
ルロニダーゼ)	
200903_s_at	1402,1403,1404,1405,1406,1407,1408,1409,1410,1411
,1412	35708 AHCY;S-アデノシルホモシステイ
ン ヒドロラーゼ	
200904_at	1413,1414,1415,1416,1417,1418,1419,1420,1421,1422,1
423	35709 HLA-E; 主要な組織適合性複合体,
クラスI, E	
200906_s_at	1424,1425,1426,1427,1428,1429,1430,1431,1432,1433
,1434	35710 KIAA0992; パラディン
200907_s_at	1435,1436,1437,1438,1439,1440,1441,1442,1443,1444
,1445	35711 KIAA0992; パラディン
200910_at	1446,1447,1448,1449,1450,1451,1452,1453,1454,1455,1
456	35712 CCT3; シャペロニン含有TCP1, サブ
ユニット 3 (γ)	
200911_s_at	1457,1458,1459,1460,1461,1462,1463,1464,1465,1466
,1467	35713 TACC1; 形質転換, 酸性 コイルド
コイル含有タンパク質 1	
200923_at	1468,1469,1470,1471,1472,1473,1474,1475,1476,1477,1
478	35714 LGALS3BP; レクチン, ガラクトシド
結合, 可溶性,3 結合タンパク質	
200925_at	1479,1480,1481,1482,1483,1484,1485,1486,1487,1488,1
489	35715 COX6A1; シトクロム c オキシダー
ゼ サブユニットVIa ポリペプチド 1	
200929_at	1490,1491,1492,1493,1494,1495,1496,1497,1498,1499,1
500	35716 TMP21; 膜貫通 輸送タンパク質
200930_s_at	1501,1502,1503,1504,1505,1506,1507,1508,1509,1510
,1511	35717 VCL; ビンクリン
200931_s_at	1512,1513,1514,1515,1516,1517,1518,1519,1520,1521
,1522	35718 VCL; ビンクリン

200932_s_at	1523,1524,1525,1526,1527,1528,1529,1530,1531,1532
,1533	35719 DCTN2; ディナクチン 2 (p50)
200946_x_at	1534,1535,1536,1537,1538,1539,1540,1541,1542,1543
,1544	35720 GLUD1; グルタミン酸 デヒドロゲ
ナーゼ 1	
200950_at	1545,1546,1547,1548,1549,1550,1551,1552,1553,1554,1
555	35721 ARPC1A; アクチン関連 タンパク質
2/3 複合体, サブユニット1A, 41kDa	
200951_s_at	1556,1557,1558,1559,1560,1561,1562,1563,1564,1565
,1566	35722 CCND2; サイクリン D2
200953_s_at	1567,1568,1569,1570,1571,1572,1573,1574,1575,1576
,1577	35723 CCND2; サイクリン D2
200960_x_at	1578,1579,1580,1581,1582,1583,1584,1585,1586,1587
,1588	35724 CLTA; クラスリン, light ポリペ
プチド (Lca)	
200966_x_at	1589,1590,1591,1592,1593,1594,1595,1596,1597,1598
,1599	35725 ALDOA; アルドラーゼ A, フルク
トース-ビスホスフェート	
200968_s_at	1600,1601,1602,1603,1604,1605,1606,1607,1608,1609
,1610	35726 PPIB; ペプチジルプロリル イソ
メラーゼ B (サイクロフィリンB)	
200969_at	1611,1612,1613,1614,1615,1616,1617,1618,1619,1620,1
621	35727 SERP1; ストレス関連性 小胞体 タ
ンパク質 1	
200970_s_at	1622,1623,1624,1625,1626,1627,1628,1629,1630,1631
,1632	35728 SERP1; ストレス関連性小胞体 タ
ンパク質 1	
200971_s_at	1633,1634,1635,1636,1637,1638,1639,1640,1641,1642
,1643	35729 SERP1; ストレス関連性小胞体 タ
ンパク質 1	
200974_at	1644,1645,1646,1647,1648,1649,1650,1651,1652,1653,1
654	35730 ACTA2; アクチン, α 2, 平滑筋,
大動脈	
200980_s_at	1655,1656,1657,1658,1659,1660,1661,1662,1663,1664
,1665	35731 PDHA1; 推定デヒドロゲナーゼ (
リポアミド) α 1	
200982_s_at	1666,1667,1668,1669,1670,1671,1672,1673,1674,1675
,1676	35732 ANXA6; アネキシン A6
200985_s_at	1677,1678,1679,1680,1681,1682,1683,1684,1685,1686
,1687	35733 CD59; CD59抗原 p18-20 (モノク
ローナル抗体16.3A5, EJ16, EJ30, EL32およびG344によって同定された抗原)	
200986_at	1688,1689,1690,1691,1692,1693,1694,1695,1696,1697,1
698	35734 SERPING1; セリン (またはシステイ
ン) プロテイナーゼインヒビター, クレード G (C1 インヒビター), メンバー1, (血管	
性浮腫, 遺伝性)	
200987_x_at	1699,1700,1701,1702,1703,1704,1705,1706,1707,1708
,1709	35735 PSME3; プロテアソーム (プロソ
ーム, マクロペイン)活性化因子 サブユニット 3 (PA28 γ ; Ki)	
200996_at	1710,1711,1712,1713,1714,1715,1716,1717,1718,1719,1
720	35736 ACTR3; ARP3 アクチン関連 タンパ

ク質 3 ホモログ (酵母)

200997_at	1721,1722,1723,1724,1725,1726,1727,1728,1729,1730,1731	35737	RBM4; RNA 結合モチーフ タンパク質 4
201001_s_at	1732,1733,1734,1735,1736,1737,1738,1739,1740,1741,1742	35738	UBE2V1 /// Kua-UEV; ユビキチン-結合酵素 E2 改変体1
201003_x_at	1743,1744,1745,1746,1747,1748,1749,1750,1751,1752,1753	35739	
201005_at	1754,1755,1756,1757,1758,1759,1760,1761,1762,1763,1764	35740	CD9; CD9抗原 (p24)
201008_s_at	1765,1766,1767,1768,1769,1770,1771,1772,1773,1774,1775	35741	TXNIP; チオレドキシン 相互作用タンパク質
201012_at	1776,1777,1778,1779,1780,1781,1782,1783,1784,1785,1786	35742	ANXA1; アネキシン A1
201013_s_at	1787,1788,1789,1790,1791,1792,1793,1794,1795,1796,1797	35743	PAICS; ホスホリボシルアミノイミダゾールカルボキシラーゼ, ホスホリボシルアミノイミダゾールスクシノカルボキサミドシンテターゼ
201014_s_at	1798,1799,1800,1801,1802,1803,1804,1805,1806,1807,1808	35744	PAICS; ホスホリボシルアミノイミダゾールカルボキシラーゼ, ホスホリボシルアミノイミダゾールスクシノカルボキサミドシンテターゼ
201015_s_at	1809,1810,1811,1812,1813,1814,1815,1816,1817,1818,1819	35745	JUP; 連結ブラコグロビン
201016_at	1820,1821,1822,1823,1824,1825,1826,1827,1828,1829,1830	35746	EIF1AX; 真核生物翻訳伸長因子 1A, X結合
201019_s_at	1831,1832,1833,1834,1835,1836,1837,1838,1839,1840,1841	35747	EIF1AX; 真核生物翻訳伸長因子 1A, X結合
201020_at	1842,1843,1844,1845,1846,1847,1848,1849,1850,1851,1852	35748	YWHAH; チロシン 3-モノオキシゲナーゼ/トリプトファン5-モノオキシゲナーゼ活性化タンパク質, η ポリペプチド
201021_s_at	1853,1854,1855,1856,1857,1858,1859,1860,1861,1862,1863	35749	DSTN; デストリン(アクチン脱重合因子)
201022_s_at	1864,1865,1866,1867,1868,1869,1870,1871,1872,1873,1874	35750	DSTN; デストリン(アクチン脱重合因子)
201033_x_at	1875,1876,1877,1878,1879,1880,1881,1882,1883,1884,1885	35751	RPLP0; リボソームタンパク質, 大, P0
201035_s_at	1886,1887,1888,1889,1890,1891,1892,1893,1894,1895,1896	35752	HADHSC; L-3-ヒドロキシアシル-補酵素 A デヒドロゲナーゼ, 短鎖
201037_at	1897,1898,1899,1900,1901,1902,1903,1904,1905,1906,1907	35753	PFKP; ホスホフルクトキナーゼ, 血小板

201039_s_at ,1918 erevisiae)	1908,1909,1910,1911,1912,1913,1914,1915,1916,1917 35754	RAD23A; RAD23 ホモログ A (S. c
201040_at 929 タンパク質 (G タンパク質), α 阻害活性 ポリペプチド 2	1919,1920,1921,1922,1923,1924,1925,1926,1927,1928,1 35755	GNAI2; グアニンヌクレオチド結合
201042_at 940 C ポリペプチド, タンパク質-グルタミン- γ -グルタミルトランスフェラーゼ)	1930,1931,1932,1933,1934,1935,1936,1937,1938,1939,1 35756	TGM2; トランスグルタミナーゼ 2 (
201058_s_at ,1951 9, 調節性	1941,1942,1943,1944,1945,1946,1947,1948,1949,1950 35757	MYL9; ミオシン, 軽ポリペプチド
201059_at 962	1952,1953,1954,1955,1956,1957,1958,1959,1960,1961,1 35758	
201060_x_at ,1973	1963,1964,1965,1966,1967,1968,1969,1970,1971,1972 35759	STOM; ストマチン
201061_s_at ,1984	1974,1975,1976,1977,1978,1979,1980,1981,1982,1983 35760	STOM; ストマチン
201066_at 995	1985,1986,1987,1988,1989,1990,1991,1992,1993,1994,1 35761	CYC1; シトクロム c-1
201069_at 006 ナーゼ 2 (ゼラチナーゼA, 72kDa ゼラチナーゼ, 72kDa IV型 コラゲナーゼ)	1996,1997,1998,1999,2000,2001,2002,2003,2004,2005,2 35762	MMP2; マトリックスメタロプロテイ
201074_at 017	2007,2008,2009,2010,2011,2012,2013,2014,2015,2016,2 35763	SMARCC1; SWI/SNF 放出, マトリッ
201075_s_at ,2028	2018,2019,2020,2021,2022,2023,2024,2025,2026,2027 35764	SMARCC1; SWI/SNF 放出, マトリ
201077_s_at ,2039 タンパク質 2様1 (S. cerevisiae)	2029,2030,2031,2032,2033,2034,2035,2036,2037,2038 35765	NHP2L1; NHP2 非ヒストン 染色体
201079_at 050	2040,2041,2042,2043,2044,2045,2046,2047,2048,2049,2 35766	SYNGR2; シナプトギリン 2
201080_at 061 ール-4-ホスフェート5-キナーゼ, II型, β	2051,2052,2053,2054,2055,2056,2057,2058,2059,2060,2 35767	PIP5K2B; ホスファチジルイノシト
201082_s_at ,2072 接着ホモログ,Drosophila)	2062,2063,2064,2065,2066,2067,2068,2069,2070,2071 35768	DCTN1; ディナクチン 1 (p150,
201090_x_at ,2083 性	2073,2074,2075,2076,2077,2078,2079,2080,2081,2082 35769	K-A -1; チューブリン, α , 遍在
201091_s_at ,2094 3 (HP1 γ ホモログ,Drosophila)	2084,2085,2086,2087,2088,2089,2090,2091,2092,2093 35770	CBX3; クロモボックス ホモログ
201093_x_at ,2105 複合体, サブユニットA, フラビンタンパク質 (Fp)	2095,2096,2097,2098,2099,2100,2101,2102,2103,2104 35771	SDHA; コハク酸デヒドロゲナーゼ
201095_at	2106,2107,2108,2109,2110,2111,2112,2113,2114,2115,2	

116	35772	DAP; 死に関連するタンパク質
201096_s_at	2117, 2118, 2119, 2120, 2121, 2122, 2123, 2124, 2125, 2126	
, 2127	35773	ARF4; ADPリボシル化因子 4
201098_at	2128, 2129, 2130, 2131, 2132, 2133, 2134, 2135, 2136, 2137, 2	
138	35774	COPB2; コートマータンパク質複合
体, サブユニット β 2 (β プライム)		
201105_at	2139, 2140, 2141, 2142, 2143, 2144, 2145, 2146, 2147, 2148, 2	
149	35775	LGALS1; レクチン, ガラクトシド結
合, 可溶性, 1 (ガレクチン 1)		
201106_at	2150, 2151, 2152, 2153, 2154, 2155, 2156, 2157, 2158, 2159, 2	
160	35776	GPX4; グルタチオンペルオキシダー
ゼ 4 (ホスホリピドヒドロペルオキシダーゼ)		
201108_s_at	2161, 2162, 2163, 2164, 2165, 2166, 2167, 2168, 2169, 2170	
, 2171	35777	THBS1; thrombospondin 1
201114_x_at	2172, 2173, 2174, 2175, 2176, 2177, 2178, 2179, 2180, 2181	
, 2182	35778	PSMA7; プロテアソーム (プロソ
ーム, マクロペイン) サブユニット, α 型, 7		
201115_at	2183, 2184, 2185, 2186, 2187, 2188, 2189, 2190, 2191, 2192, 2	
193	35779	POLD2; ポリメラーゼ (DNA指向性),
δ 2, 調節性 サブユニット 50kDa		
201119_s_at	2194, 2195, 2196, 2197, 2198, 2199, 2200, 2201, 2202, 2203	
, 2204	35780	COX8A; シトクロム c オキシダー
ゼ サブユニット 8A (遍在性)		
201120_s_at	2205, 2206, 2207, 2208, 2209, 2210, 2211, 2212, 2213, 2214	
, 2215	35781	PGRMC1; プロゲステロンレセプタ
ー 膜成分 1		
201121_s_at	2216, 2217, 2218, 2219, 2220, 2221, 2222, 2223, 2224, 2225	
, 2226	35782	PGRMC1; プロゲステロンレセプタ
ー 膜成分 1		
201127_s_at	2227, 2228, 2229, 2230, 2231, 2232, 2233, 2234, 2235, 2236	
, 2237	35783	ACLY; ATP クエン酸リアーゼ
201128_s_at	2238, 2239, 2240, 2241, 2242, 2243, 2244, 2245, 2246, 2247	
, 2248	35784	ACLY; ATP クエン酸リアーゼ
201130_s_at	2249, 2250, 2251, 2252, 2253, 2254, 2255, 2256, 2257, 2258	
, 2259	35785	CDH1; カドヘリン 1, 1型, E-カ
ドヘリン (上皮)		
201135_at	2260, 2261, 2262, 2263, 2264, 2265, 2266, 2267, 2268, 2269, 2	
270	35786	ECHS1; エノイル補酵素 A ヒドラタ
ーゼ, 短鎖, 1, ミトコンドリア		
201136_at	2271, 2272, 2273, 2274, 2275, 2276, 2277, 2278, 2279, 2280, 2	
281	35787	PLP2; プロテオリピド タンパク質
2 (colonic epithelium-enriched)		
201142_at	2282, 2283, 2284, 2285, 2286, 2287, 2288, 2289, 2290, 2291, 2	
292	35788	EIF2S1; 真核生物翻訳伸長因子 2,
サブユニット 1 α , 35kDa		
201144_s_at	2293, 2294, 2295, 2296, 2297, 2298, 2299, 2300, 2301, 2302	
, 2303	35789	EIF2S1; 真核生物翻訳伸長因子 2
, サブユニット 1 α , 35kDa		
201146_at	2304, 2305, 2306, 2307, 2308, 2309, 2310, 2311, 2312, 2313, 2	
314	35790	NFE2L2; 核因子 (赤血球由来 2) 様 2

201147_s_at	2315, 2316, 2317, 2318, 2319, 2320, 2321, 2322, 2323, 2324	
, 2325	35791	TIMP3; メタロプロテイナーゼ 3
の組織インヒビター(ソーズビー底ジストロフィー, 偽炎症性)		
201148_s_at	2326, 2327, 2328, 2329, 2330, 2331, 2332, 2333, 2334, 2335	
, 2336	35792	TIMP3; メタロプロテイナーゼ 3
の組織インヒビター(ソーズビー底ジストロフィー, 偽炎症性)		
201149_s_at	2337, 2338, 2339, 2340, 2341, 2342, 2343, 2344, 2345, 2346	
, 2347	35793	TIMP3; メタロプロテイナーゼ 3
の組織インヒビター(ソーズビー底ジストロフィー, 偽炎症性)		
201150_s_at	2348, 2349, 2350, 2351, 2352, 2353, 2354, 2355, 2356, 2357	
, 2358	35794	TIMP3; メタロプロテイナーゼ 3
の組織インヒビター(ソーズビー底ジストロフィー, 偽炎症性)		
201151_s_at	2359, 2360, 2361, 2362, 2363, 2364, 2365, 2366, 2367, 2368	
, 2369	35795	MBNL1; 筋盲様 (Drosophila)
201152_s_at	2370, 2371, 2372, 2373, 2374, 2375, 2376, 2377, 2378, 2379	
, 2380	35796	MBNL1; 筋盲様 (Drosophila)
201153_s_at	2381, 2382, 2383, 2384, 2385, 2386, 2387, 2388, 2389, 2390	
, 2391	35797	MBNL1; 筋盲様 (Drosophila)
201155_s_at	2392, 2393, 2394, 2395, 2396, 2397, 2398, 2399, 2400, 2401	
, 2402	35798	MFN2; マイトヒュージョン 2
201161_s_at	2403, 2404, 2405, 2406, 2407, 2408, 2409, 2410, 2411, 2412	
, 2413	35799	CSDA; 寒冷ショックドメイン プ
ロテインA		
201166_s_at	2414, 2415, 2416, 2417, 2418, 2419, 2420, 2421, 2422, 2423	
, 2424	35800	PUM1; pumilio ホモログ 1 (Dros
ophila)		
201168_x_at	2425, 2426, 2427, 2428, 2429, 2430, 2431, 2432, 2433, 2434	
, 2435	35801	ARHGDI; Rho GDP 解離インヒビ
ター (GDI) α		
201177_s_at	2436, 2437, 2438, 2439, 2440, 2441, 2442, 2443, 2444, 2445	
, 2446	35802	UBA2; SUMO-1活性化酵素サブユニ
ット 2		
201179_s_at	2447, 2448, 2449, 2450, 2451, 2452, 2453, 2454, 2455, 2456	
, 2457	35803	GNAI3; グアニンヌクレオチド 結
合タンパク質 (Gタンパク質), α 阻害活性 ポリペプチド 3		
201185_at	2458, 2459, 2460, 2461, 2462, 2463, 2464, 2465, 2466, 2467, 2	
468	35804	PRSS11; プロテアーゼ, セリン, 11
(IGF結合性)		
201192_s_at	2469, 2470, 2471, 2472, 2473, 2474, 2475, 2476, 2477, 2478	
, 2479	35805	PITPNA; ホスファチジルイノシト
ール 転移タンパク質, α		
201193_at	2480, 2481, 2482, 2483, 2484, 2485, 2486, 2487, 2488, 2489, 2	
490	35806	IDH1; イソクエン酸 デヒドロゲナ
ーゼ 1(NADP+), 可溶性		
201198_s_at	2491, 2492, 2493, 2494, 2495, 2496, 2497, 2498, 2499, 2500	
, 2501	35807	PSMD1; プロテアソーム (プロソ
ーム, マクロペイン)26S サブユニット, 非ATPase, 1		
201200_at	2502, 2503, 2504, 2505, 2506, 2507, 2508, 2509, 2510, 2511, 2	
512	35808	CREG1; E1A刺激遺伝子 1の細胞リブ

レッサ		
201201_at	2513, 2514, 2515, 2516, 2517, 2518, 2519, 2520, 2521, 2522, 2	
523	35809	CSTB; シスタチン B (ステフィン B)
201211_s_at	2524, 2525, 2526, 2527, 2528, 2529, 2530, 2531, 2532, 2533	
, 2534	35810	DDX3X; DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp)
ボックス ポリペプチド 3, X結合		
201215_at	2535, 2536, 2537, 2538, 2539, 2540, 2541, 2542, 2543, 2544, 2	
545	35811	PLS3; プラスチン 3 (T アイソフォーム)
201218_at	2546, 2547, 2548, 2549, 2550, 2551, 2552, 2553, 2554, 2555, 2	
556	35812	CTBP2; C-末端 結合タンパク質 2
201219_at	2557, 2558, 2559, 2560, 2561, 2562, 2563, 2564, 2565, 2566, 2	
567	35813	CTBP2; C-末端 結合タンパク質 2
201221_s_at	2568, 2569, 2570, 2571, 2572, 2573, 2574, 2575, 2576, 2577	
, 2578	35814	SNRP70; 小型核リボヌクレオタン
パク質 70kDaポリペプチド (RNP抗原)		
201234_at	2579, 2580, 2581, 2582, 2583, 2584, 2585, 2586, 2587, 2588, 2	
589	35815	ILK; インテグリン連結 キナーゼ
201240_s_at	2590, 2591, 2592, 2593, 2594, 2595, 2596, 2597, 2598, 2599	
, 2600	35816	KIAA0102; KIAA0102 遺伝子産物
201263_at	2601, 2602, 2603, 2604, 2605, 2606, 2607, 2608, 2609, 2610, 2	
611	35817	TARS; スレオニル-tRNA シンテターゼ
201264_at	2612, 2613, 2614, 2615, 2616, 2617, 2618, 2619, 2620, 2621, 2	
622	35818	COPE; コートマータンパク質複合体
, サブユニット ε		
201266_at	2623, 2624, 2625, 2626, 2627, 2628, 2629, 2630, 2631, 2632, 2	
633	35819	TXNRD1; チオレドキシン レダクターゼ 1
201268_at	2634, 2635, 2636, 2637, 2638, 2639, 2640, 2641, 2642, 2643, 2	
644	35820	NME2; 非転移性細胞 2, タンパク質 (NM23B) 発現
201270_x_at	2645, 2646, 2647, 2648, 2649, 2650, 2651, 2652, 2653, 2654	
, 2655	35821	KIAA1068; KIAA1068 タンパク質
201272_at	2656, 2657, 2658, 2659, 2660, 2661, 2662, 2663, 2664, 2665, 2	
666	35822	AKR1B1; アルドーケトレダクターゼ
ファミリー 1, メンバーB1(アルドースレダクターゼ)		
201273_s_at	2667, 2668, 2669, 2670, 2671, 2672, 2673, 2674, 2675, 2676	
, 2677	35823	SRP9; シグナル認識粒子 9kDa
201284_s_at	2678, 2679, 2680, 2681, 2682, 2683, 2684, 2685, 2686, 2687	
, 2688	35824	APEH; N-アシルアミノアシルペプチド ヒドロラーゼ
201289_at	2689, 2690, 2691, 2692, 2693, 2694, 2695, 2696, 2697, 2698, 2	
699	35825	CYR61; システインリッチ, 血管形成誘導因子, 61
201293_x_at	2700, 2701, 2702, 2703, 2704, 2705, 2706, 2707, 2708, 2709	
, 2710	35826	PPIA; ペプチジルプロリル イソ
メラーゼ A (サイクロフィリンA)		
201300_s_at	2711, 2712, 2713, 2714, 2715, 2716, 2717, 2718, 2719, 2720	

,2721	35827	PRNP; prion タンパク質 (p27-30)
) (クロイツフェルトヤコブ病, Gerstmann-Strausler-Scheinker症候群, 致死性家族性不眠症)		
201301_s_at	2722,2723,2724,2725,2726,2727,2728,2729,2730,2731	
,2732	35828	ANXA4; アネキシン A4
201311_s_at	2733,2734,2735,2736,2737,2738,2739,2740,2741,2742	
,2743	35829	SH3BGRL; SH3ドメイン 結合グル
タミン酸リッチ タンパク質様		
201312_s_at	2744,2745,2746,2747,2748,2749,2750,2751,2752,2753	
,2754	35830	SH3BGRL; SH3ドメイン 結合グル
タミン酸リッチ タンパク質様		
201313_at	2755,2756,2757,2758,2759,2760,2761,2762,2763,2764,2	
765	35831	ENO2; エノラーゼ 2 (γ, ニューロ
ン性)		
201320_at	2766,2767,2768,2769,2770,2771,2772,2773,2774,2775,2	
776	35832	SMARCC2; SWI/SNF関連, マトリック
ス関連, アクチン依存性クロマチンの調節因子, サブファミリー c, メンバー2		
201322_at	2777,2778,2779,2780,2781,2782,2783,2784,2785,2786,2	
787	35833	ATP5B; ATPシンターゼ, H ⁺ 輸送,
ミトコンドリアF1複合体, βポリペプチド		
201327_s_at	2788,2789,2790,2791,2792,2793,2794,2795,2796,2797	
,2798	35834	CCT6A; シャペロニン含有TCP1,
サブユニット 6A(ζ 1)		
201336_at	2799,2800,2801,2802,2803,2804,2805,2806,2807,2808,2	
809	35835	VAMP3; 小胞関連膜タンパク質 3 (
セルブレビン)		
201337_s_at	2810,2811,2812,2813,2814,2815,2816,2817,2818,2819	
,2820	35836	VAMP3; 小胞関連膜タンパク質 3
(セルブレビン)		
201338_x_at	2821,2822,2823,2824,2825,2826,2827,2828,2829,2830	
,2831	35837	GTF3A; 一般的転写因子 IIIA
201339_s_at	2832,2833,2834,2835,2836,2837,2838,2839,2840,2841	
,2842	35838	SCP2; ステロールキャリアタンパ
ク質 2		
201341_at	2843,2844,2845,2846,2847,2848,2849,2850,2851,2852,2	
853	35839	ENC1; 外胚葉-ニューロン神経堤 (
BTB様ドメインを有する)		
201345_s_at	2854,2855,2856,2857,2858,2859,2860,2861,2862,2863	
,2864	35840	UBE2D2; ユビキチン-結合酵素 E2
D 2 (UBC4/5 ホモログ, 酵母)		
201347_x_at	2865,2866,2867,2868,2869,2870,2871,2872,2873,2874	
,2875	35841	GRHPR; グリオキシル酸 レダクタ
ーゼ/ヒドロキシ推定レダクターゼ		
201349_at	2876,2877,2878,2879,2880,2881,2882,2883,2884,2885,2	
886	35842	SLC9A3R1; 溶質キャリアファミリー
9 (ナトリウム/水素交換体), アイソフォーム 3 調節因子 1		
201351_s_at	2887,2888,2889,2890,2891,2892,2893,2894,2895,2896	
,2897	35843	YME1L1; YME1様 1 (S. cerevisia
e)		
201358_s_at	2898,2899,2900,2901,2902,2903,2904,2905,2906,2907	

,2908 体, サブユニット β	35844	COPB; コートマータンパク質複合
201359_at 919 , サブユニット β	2909,2910,2911,2912,2913,2914,2915,2916,2917,2918,2 35845	COPB; コートマータンパク質複合体
201361_at 930	2920,2921,2922,2923,2924,2925,2926,2927,2928,2929,2 35846	MGC5508; 仮想タンパク質 MGC5508
201364_s_at ,2941 酵素 2	2931,2932,2933,2934,2935,2936,2937,2938,2939,2940 35847	OAZ2; オルニチン脱炭酸酵素 抗
201368_at 952 ク質 36,C3H型様 2	2942,2943,2944,2945,2946,2947,2948,2949,2950,2951,2 35848	ZFP36L2; ジンクフィンガータンパ
201371_s_at ,2963	2953,2954,2955,2956,2957,2958,2959,2960,2961,2962 35849	CUL3;cullin 3
201375_s_at ,2974 ーゼ 2 (以前は2A), 触媒性サブユニット, β アイソフォーム	2964,2965,2966,2967,2968,2969,2970,2971,2972,2973 35850	PPP2CB; タンパク質 ホスファタ
201376_s_at ,2985 パク質 F	2975,2976,2977,2978,2979,2980,2981,2982,2983,2984 35851	HNRPF; 異種核リボヌクレオタン
201378_s_at ,2996 タンパク質 2様	2986,2987,2988,2989,2990,2991,2992,2993,2994,2995 35852	UBAP2L; ユビキチン associated
201379_s_at ,3007 2	2997,2998,2999,3000,3001,3002,3003,3004,3005,3006 35853	TPD52L2; 腫瘍 タンパク質 D52様
201380_at 018	3008,3009,3010,3011,3012,3013,3014,3015,3016,3017,3 35854	CRTAP; 軟骨関連タンパク質
201386_s_at ,3029 ボックス ポリペプチド 15	3019,3020,3021,3022,3023,3024,3025,3026,3027,3028 35855	DHX15; DEAH (Asp-Glu-Ala-His)
201387_s_at ,3040 末端エステラーゼL1 (ユビキチン チオールエステラーゼ)	3030,3031,3032,3033,3034,3035,3036,3037,3038,3039 35856	UCHL1; ユビキチンカルボキシル
201388_at 051 ム, マクロペイン)26S サブユニット, 非ATPase, 3	3041,3042,3043,3044,3045,3046,3047,3048,3049,3050,3 35857	PSMD3; プロテアソーム (プロソー
201389_at 062 ブロネクチン レセプター, α ポリペプチド)	3052,3053,3054,3055,3056,3057,3058,3059,3060,3061,3 35858	ITGA5; インテグリン, α 5 (フィ
201391_at 073 ク質 1	3063,3064,3065,3066,3067,3068,3069,3070,3071,3072,3 35859	TRAP1; TNF レセプター関連 タンパ
201397_at 084 ロゲナーゼ	3074,3075,3076,3077,3078,3079,3080,3081,3082,3083,3 35860	PHGDH; ホスホグリセリン酸 デヒド
201403_s_at ,3095 ンS-トランスフェラーゼ3	3085,3086,3087,3088,3089,3090,3091,3092,3093,3094 35861	MGST3; ミクロソーム グルタチオ

201408_at	3096,3097,3098,3099,3100,3101,3102,3103,3104,3105,3106	35862	PPP1CB; タンパク質 ホスファターゼ 1, 触媒性サブユニット, β アイソフォーム
201409_s_at	3107,3108,3109,3110,3111,3112,3113,3114,3115,3116,3117	35863	PPP1CB; タンパク質 ホスファターゼ 1, 触媒性サブユニット, β アイソフォーム
201410_at	3118,3119,3120,3121,3122,3123,3124,3125,3126,3127,3128	35864	PLEKHB2; プレクストリン ホモロジードメイン含有, ファミリーB (evectins) メンバー2
201411_s_at	3129,3130,3131,3132,3133,3134,3135,3136,3137,3138,3139	35865	PLEKHB2; プレクストリン ホモロジードメイン含有, ファミリーB (イベクチン) メンバー2
201416_at	3140,3141,3142,3143,3144,3145,3146,3147,3148,3149,3150	35866	SOX4; SRY (性決定領域Y) ボックス 4
201417_at	3151,3152,3153,3154,3155,3156,3157,3158,3159,3160,3161	35867	SOX4; SRY (性決定領域Y) ボックス 4
201420_s_at	3162,3163,3164,3165,3166,3167,3168,3169,3170,3171,3172	35868	MEP50; MEP50 タンパク質
201421_s_at	3173,3174,3175,3176,3177,3178,3179,3180,3181,3182,3183	35869	MEP50; MEP50 タンパク質
201426_s_at	3184,3185,3186,3187,3188,3189,3190,3191,3192,3193,3194	35870	VIM; ビメンチン
201430_s_at	3195,3196,3197,3198,3199,3200,3201,3202,3203,3204,3205	35871	DPYSL3; ジヒドロピリミジナーゼ様 3
201431_s_at	3206,3207,3208,3209,3210,3211,3212,3213,3214,3215,3216	35872	DPYSL3; ジヒドロピリミジナーゼ様 3
201432_at	3217,3218,3219,3220,3221,3222,3223,3224,3225,3226,3227	35873	CAT; カタラーゼ
201435_s_at	3228,3229,3230,3231,3232,3233,3234,3235,3236,3237,3238	35874	EIF4E; 真核生物翻訳伸長因子 4E
201438_at	3239,3240,3241,3242,3243,3244,3245,3246,3247,3248,3249	35875	COL6A3; コラーゲン, VI型, α 3
201444_s_at	3250,3251,3252,3253,3254,3255,3256,3257,3258,3259,3260	35876	ATP6AP2; ATPase, H ⁺ 輸送, リソソーム 補助タンパク質 2
201446_s_at	3261,3262,3263,3264,3265,3266,3267,3268,3269,3270,3271	35877	TIA1; TIA1 細胞傷害性顆粒関連RNA 結合タンパク質
201457_x_at	3272,3273,3274,3275,3276,3277,3278,3279,3280,3281,3282	35878	BUB3; ベンズイミダゾール 3 ホモログによって阻害されないBUB3発芽 (酵母)
201459_at	3283,3284,3285,3286,3287,3288,3289,3290,3291,3292,3293	35879	RUVBL2; RuvB様 2 (E. coli)
201460_at	3294,3295,3296,3297,3298,3299,3300,3301,3302,3303,3304	35880	MAPKAPK2; マイトジェン活性化タンパク質 キナーゼ 2

201467_s_at ,3315 , キノン 1	3305,3306,3307,3308,3309,3310,3311,3312,3313,3314 35881	NQO1; NAD(P)H デヒドロゲナーゼ
201475_x_at ,3326 ーゼ	3316,3317,3318,3319,3320,3321,3322,3323,3324,3325 35882	MARS; メチオニン-tRNA シンテターゼ
201476_s_at ,3337 ーゼ M1 ポリペプチド	3327,3328,3329,3330,3331,3332,3333,3334,3335,3336 35883	RRM1; リボヌクレオチドレダクター
201479_at 348 リン	3338,3339,3340,3341,3342,3343,3344,3345,3346,3347,3348 35884	DKC1; 先天性角化不全症 1, ジスケリン
201482_at 359	3349,3350,3351,3352,3353,3354,3355,3356,3357,3358,3359 35885	QSCN6; キエスシン Q6
201485_s_at ,3370 ドカルシウム結合ドメイン	3360,3361,3362,3363,3364,3365,3366,3367,3368,3369 35886	RCN2; 網状カルピン 2, EF-ハン
201489_at 381 ラーゼ F (サイクロフィリンF)	3371,3372,3373,3374,3375,3376,3377,3378,3379,3380,3381 35887	PPIF; ペプチジルプロリル イソメラーゼ F (サイクロフィリンF)
201490_s_at ,3392 メラーゼ F (サイクロフィリンF)	3382,3383,3384,3385,3386,3387,3388,3389,3390,3391 35888	PPIF; ペプチジルプロリルイソ
201495_x_at ,3403 ド 11, 平滑筋	3393,3394,3395,3396,3397,3398,3399,3400,3401,3402 35889	MYH11; ミオシン, 重ポリペプチド 11, 平滑筋
201496_x_at ,3414 ド 11, 平滑筋	3404,3405,3406,3407,3408,3409,3410,3411,3412,3413 35890	MYH11; ミオシン, 重ポリペプチド 11, 平滑筋
201497_x_at ,3425 ド 11, 平滑筋	3415,3416,3417,3418,3419,3420,3421,3422,3423,3424 35891	MYH11; ミオシン, 重ポリペプチド 11, 平滑筋
201505_at 436	3426,3427,3428,3429,3430,3431,3432,3433,3434,3435,3436 35892	LAMB1; ラミニン, β 1
201510_at 447 転写因子, 上皮特異的)	3437,3438,3439,3440,3441,3442,3443,3444,3445,3446,3447 35893	ELF3; E74様因子 3 (etsドメイン転写因子, 上皮特異的)
201512_s_at ,3458 ホモログ Aの転位酵素 (酵母)	3448,3449,3450,3451,3452,3453,3454,3455,3456,3457 35894	TOMM70A; ミトコンドリア外膜 70
201516_at 469	3459,3460,3461,3462,3463,3464,3465,3466,3467,3468,3469 35895	SRM; スペルミジンシンターゼ
201520_s_at ,3480 1	3470,3471,3472,3473,3474,3475,3476,3477,3478,3479 35896	GRSF1; Gリッチ RNA配列結合因子 1
201521_s_at ,3491 質 サブユニット 2, 20kDa	3481,3482,3483,3484,3485,3486,3487,3488,3489,3490 35897	NCBP2; 核キャップ結合タンパク質 サブユニット 2, 20kDa
201522_x_at ,3502	3492,3493,3494,3495,3496,3497,3498,3499,3500,3501 35898	SNURF /// SNRPN; SNRPN 上流リ

ーディングフレーム; 小型核リボヌクレオタンパク質 ポリペプチド N		
201523_x_at	3503,3504,3505,3506,3507,3508,3509,3510,3511,3512	
,3513	35899	UBE2N; ユビキチン-結合酵素 E2N
(UBC13 ホモログ, 酵母)		
201524_x_at	3514,3515,3516,3517,3518,3519,3520,3521,3522,3523	
,3524	35900	UBE2N; ユビキチン-結合酵素 E2N
(UBC13 ホモログ, 酵母)		
201526_at	3525,3526,3527,3528,3529,3530,3531,3532,3533,3534,3	
535	35901	ARF5; ADPリボシル化因子 5
201529_s_at	3536,3537,3538,3539,3540,3541,3542,3543,3544,3545	
,3546	35902	RPA1; 複製プロテインA1, 70kDa
201536_at	3547,3548,3549,3550,3551,3552,3553,3554,3555,3556,3	
557	35903	DUSP3; 二重特異性ホスファターゼ
3 (ワクシニアウイルスホスファターゼVH1関連)		
201537_s_at	3558,3559,3560,3561,3562,3563,3564,3565,3566,3567	
,3568	35904	DUSP3; 二重特異性ホスファター
ゼ 3 (ワクシニアウイルスホスファターゼVH1関連)		
201538_s_at	3569,3570,3571,3572,3573,3574,3575,3576,3577,3578	
,3579	35905	DUSP3; 二重特異性ホスファター
ゼ 3 (ワクシニアウイルスホスファターゼVH1関連)		
201539_s_at	3580,3581,3582,3583,3584,3585,3586,3587,3588,3589	
,3590	35906	FHL1; fourおよびa half LIMドメ
イン s 1		
201540_at	3591,3592,3593,3594,3595,3596,3597,3598,3599,3600,3	
601	35907	FHL1; fourおよびa half LIMドメ
イン s 1		
201543_s_at	3602,3603,3604,3605,3606,3607,3608,3609,3610,3611	
,3612	35908	SARA1; SAR1a遺伝子ホモログ 1 (
S. cerevisiae)		
201548_s_at	3613,3614,3615,3616,3617,3618,3619,3620,3621,3622	
,3623	35909	JARID1B; Jumonji, ATリッチ相互
作用ドメイン 1B(RBP2様)		
201553_s_at	3624,3625,3626,3627,3628,3629,3630,3631,3632,3633	
,3634	35910	LAMP1; リソソーム関連膜タンパ
ク質 1		
201554_x_at	3635,3636,3637,3638,3639,3640,3641,3642,3643,3644	
,3645	35911	GYG; グリコゲニン
201559_s_at	3646,3647,3648,3649,3650,3651,3652,3653,3654,3655	
,3656	35912	CLIC4; 塩素イオン細胞内チャネ
ル 4		
201560_at	3657,3658,3659,3660,3661,3662,3663,3664,3665,3666,3	
667	35913	CLIC4; 塩素イオン細胞内チャネル
4		
201568_at	3668,3669,3670,3671,3672,3673,3674,3675,3676,3677,3	
678	35914	QP-C; low molecular mass ユビキ
ノン-結合タンパク質(9.5kD)		
201571_s_at	3679,3680,3681,3682,3683,3684,3685,3686,3687,3688	
,3689	35915	DCTD; dCMP デアミナーゼ
201576_s_at	3690,3691,3692,3693,3694,3695,3696,3697,3698,3699	
,3700	35916	GLB1; ガラクトシダーゼ, β 1

201577_at	3701,3702,3703,3704,3705,3706,3707,3708,3709,3710,3
711	35917 NME1; 非転移性細胞 1, タンパク質
(NM23A) 発現	
201582_at	3712,3713,3714,3715,3716,3717,3718,3719,3720,3721,3
722	35918 SEC23B; Sec23 ホモログ B (S. cer
evisiae)	
201583_s_at	3723,3724,3725,3726,3727,3728,3729,3730,3731,3732
,3733	35919 SEC23B; Sec23 ホモログ B (S. c
erevisiae)	
201587_s_at	3734,3735,3736,3737,3738,3739,3740,3741,3742,3743
,3744	35920 IRAK1; インターロイキン-1 レセ
プター関連 キナーゼ 1	
201588_at	3745,3746,3747,3748,3749,3750,3751,3752,3753,3754,3
755	35921 TXNL1; チオレドキシン様 1
201596_x_at	3756,3757,3758,3759,3760,3761,3762,3763,3764,3765
,3766	35922 KRT18; ケラチン 18
201600_at	3767,3768,3769,3770,3771,3772,3773,3774,3775,3776,3
777	35923 REA; エストロゲンレセプター活性
のリプレッサ	
201603_at	3778,3779,3780,3781,3782,3783,3784,3785,3786,3787,3
788	35924 PPP1R12A; タンパク質 ホスファタ
ーゼ 1, 調節性(インヒビター) サブユニット 12A	
201604_s_at	3789,3790,3791,3792,3793,3794,3795,3796,3797,3798
,3799	35925 PPP1R12A; タンパク質 ホスファ
ターゼ 1, 調節性(インヒビター) サブユニット 12A	
201605_x_at	3800,3801,3802,3803,3804,3805,3806,3807,3808,3809
,3810	35926 CNN2; カルボニン 2
201609_x_at	3811,3812,3813,3814,3815,3816,3817,3818,3819,3820
,3821	35927 ICMT; イソプレニルシステイン
カルボキシルメチルトランスフェラーゼ	
201612_at	3822,3823,3824,3825,3826,3827,3828,3829,3830,3831,3
832	35928 ALDH9A1; アルデヒドデヒドロゲナ
ーゼ 9ファミリー, メンバーA1	
201614_s_at	3833,3834,3835,3836,3837,3838,3839,3840,3841,3842
,3843	35929 RUVBL1; RuvB様 1 (E. coli)
201615_x_at	3844,3845,3846,3847,3848,3849,3850,3851,3852,3853
,3854	35930 CALD1; カルデスモン 1
201616_s_at	3855,3856,3857,3858,3859,3860,3861,3862,3863,3864
,3865	35931 CALD1; カルデスモン 1
201617_x_at	3866,3867,3868,3869,3870,3871,3872,3873,3874,3875
,3876	35932 CALD1; カルデスモン 1
201618_x_at	3877,3878,3879,3880,3881,3882,3883,3884,3885,3886
,3887	35933 GPAA1; GPAA1P アンカー結合タン
パク質 1 ホモログ (酵母)	
201619_at	3888,3889,3890,3891,3892,3893,3894,3895,3896,3897,3
898	35934 PRDX3; ペルオキシレドキシン 3
201621_at	3899,3900,3901,3902,3903,3904,3905,3906,3907,3908,3
909	35935 NBL1; 神経芽細胞腫, 腫瘍形成能の
抑制 1	
201624_at	3910,3911,3912,3913,3914,3915,3916,3917,3918,3919,3

920 ーゼ	35936	DARS; アスパルチル-tRNA シンテター
201625_s_at ,3931	3921,3922,3923,3924,3925,3926,3927,3928,3929,3930 35937	INSIG1; インスリン誘導遺伝子 1
201627_s_at ,3942	3932,3933,3934,3935,3936,3937,3938,3939,3940,3941 35938	INSIG1; インスリン誘導遺伝子 1
201629_s_at ,3953 溶性	3943,3944,3945,3946,3947,3948,3949,3950,3951,3952 35939	ACP1; 酸性ホスファターゼ 1, 可
201641_at 964	3954,3955,3956,3957,3958,3959,3960,3961,3962,3963,3 35940	BST2; 骨髄間質細胞抗原 2
201646_at 975 クラスB, メンバー2	3965,3966,3967,3968,3969,3970,3971,3972,3973,3974,3 35941	SCARB2; スカベンジャーレセプター
201647_s_at ,3986 ー クラスB, メンバー2	3976,3977,3978,3979,3980,3981,3982,3983,3984,3985 35942	SCARB2; スカベンジャーレセプター
201650_at 997	3987,3988,3989,3990,3991,3992,3993,3994,3995,3996,3 35943	KRT19; ケラチン 19
201655_s_at ,4008 リカン 2 (ペルレカン)	3998,3999,4000,4001,4002,4003,4004,4005,4006,4007 35944	HSPG2; ヘパラン硫酸プロテオグ
201656_at 019	4009,4010,4011,4012,4013,4014,4015,4016,4017,4018,4 35945	ITGA6; インテグリン, α 6
201660_at 030 長鎖ファミリー メンバー3	4020,4021,4022,4023,4024,4025,4026,4027,4028,4029,4 35946	ACSL3; アシル-CoA シンテターゼ
201662_s_at ,4041 長鎖ファミリー メンバー3	4031,4032,4033,4034,4035,4036,4037,4038,4039,4040 35947	ACSL3; アシル-CoA シンテターゼ
201664_at 052 持 (酵母)	4042,4043,4044,4045,4046,4047,4048,4049,4050,4051,4 35948	SMC4L1; 染色体 4様 1のSMC4構造維
201667_at 063 1, 43kDa(コネキシン 43)	4053,4054,4055,4056,4057,4058,4059,4060,4061,4062,4 35949	GJA1; ギャップ結合タンパク質, α
201688_s_at ,4074	4064,4065,4066,4067,4068,4069,4070,4071,4072,4073 35950	TPD52; 腫瘍 タンパク質 D52
201689_s_at ,4085	4075,4076,4077,4078,4079,4080,4081,4082,4083,4084 35951	TPD52; 腫瘍 タンパク質 D52
201692_at 096 1	4086,4087,4088,4089,4090,4091,4092,4093,4094,4095,4 35952	OPRS1; オピオイドレセプター, σ
201694_s_at ,4107	4097,4098,4099,4100,4101,4102,4103,4104,4105,4106 35953	EGR1; 早期成長応答 1
201698_s_at ,4118 ルギニン/セリンリッチ9	4108,4109,4110,4111,4112,4113,4114,4115,4116,4117 35954	SFRS9; スプライシング因子, ア
201704_at 129	4119,4120,4121,4122,4123,4124,4125,4126,4127,4128,4 35955	ENTPD6; エクトヌクレオシド トリ

ホスフェート ジホスホヒドロラーゼ 6 (推定機能)

201705_at	4130,4131,4132,4133,4134,4135,4136,4137,4138,4139,4140	35956	PSMD7; プロテアソーム (プロソーム, マクロペイン)26S サブユニット, 非ATPase, 7 (Mov34 ホモログ)
201709_s_at	4141,4142,4143,4144,4145,4146,4147,4148,4149,4150,4151	35957	NIPSNAP1; ニップスナップホモログ 1 (C.elegans)
201714_at	4152,4153,4154,4155,4156,4157,4158,4159,4160,4161,4162	35958	TUBG1; チューブリン, γ 1
201718_s_at	4163,4164,4165,4166,4167,4168,4169,4170,4171,4172,4173	35959	EPB41L2; 赤血球膜タンパク質バ
201719_s_at	4174,4175,4176,4177,4178,4179,4180,4181,4182,4183,4184	35960	EPB41L2; 赤血球膜タンパク質バ
201723_s_at	4185,4186,4187,4188,4189,4190,4191,4192,4193,4194,4195	35961	GALNT1; UDP-N-アセチル- α -D-ガラクトサミン:ポリペプチドN-アセチルガラクトサミニルトランスフェラーゼ 1 (GalNAc-T1)
201727_s_at	4196,4197,4198,4199,4200,4201,4202,4203,4204,4205,4206	35962	ELAVL1; ELAV (胚致死性, 視覚異常,Drosophila)様 1 (Hu抗原 R)
201735_s_at	4207,4208,4209,4210,4211,4212,4213,4214,4215,4216,4217	35963	CLCN3; 塩素イオンチャネル 3
201736_s_at	4218,4219,4220,4221,4222,4223,4224,4225,4226,4227,4228	35964	MARCH-VI; 膜関連 RING-CH タンパク質 VI
201738_at	4229,4230,4231,4232,4233,4234,4235,4236,4237,4238,4239	35965	GC20; 翻訳因子 suil ホモログ
201740_at	4240,4241,4242,4243,4244,4245,4246,4247,4248,4249,4250	35966	NDUFS3; NADH デヒドロゲナーゼ (ユビキノン)Fe-S タンパク質 3, 30kDa (NADH-補酵素 Q レダクターゼ)
201742_x_at	4251,4252,4253,4254,4255,4256,4257,4258,4259,4260,4261	35967	SFRS1; スプライシング因子, アルギニン/セリンリッチ1 (スプライシング因子 2, 代替スプライシング因子)
201743_at	4262,4263,4264,4265,4266,4267,4268,4269,4270,4271,4272	35968	CD14; CD14抗原
201744_s_at	4273,4274,4275,4276,4277,4278,4279,4280,4281,4282,4283	35969	LUM; ルミカン
201745_at	4284,4285,4286,4287,4288,4289,4290,4291,4292,4293,4294	35970	PTK9; PTK9 タンパク質 チロシンキナーゼ 9
201758_at	4295,4296,4297,4298,4299,4300,4301,4302,4303,4304,4305	35971	TSG101; 腫瘍感受性遺伝子 101
201760_s_at	4306,4307,4308,4309,4310,4311,4312,4313,4314,4315,4316	35972	WSB2; WD繰り返しおよびSOCSボックス含有 2
201761_at	4317,4318,4319,4320,4321,4322,4323,4324,4325,4326,4327	35973	MTHFD2; メチレンテトラヒドロ葉酸

デヒドロゲナーゼ(NAD+依存性), メテニルテトラヒドロ葉酸シクロヒドロラーゼ		
201764_at	4328,4329,4330,4331,4332,4333,4334,4335,4336,4337,4	
338	35974	MGC5576; 仮想タンパク質 MGC5576
201771_at	4339,4340,4341,4342,4343,4344,4345,4346,4347,4348,4	
349	35975	SCAMP3; 分泌製キャリア膜タンパク
質 3		
201772_at	4350,4351,4352,4353,4354,4355,4356,4357,4358,4359,4	
360	35976	OAZIN; オルニチン脱炭酸酵素 抗酵
素 インヒビター		
201773_at	4361,4362,4363,4364,4365,4366,4367,4368,4369,4370,4	
371	35977	ADNP; 活性依存性 神経保護体
201779_s_at	4372,4373,4374,4375,4376,4377,4378,4379,4380,4381	
,4382	35978	RNF13; リングフィンガー タンパ
ク質 13		
201781_s_at	4383,4384,4385,4386,4387,4388,4389,4390,4391,4392	
,4393	35979	AIP; アリール炭化水素 レセプタ
ー 相互作用 タンパク質		
201787_at	4394,4395,4396,4397,4398,4399,4400,4401,4402,4403,4	
404	35980	FBLN1; フィブリン 1
201790_s_at	4405,4406,4407,4408,4409,4410,4411,4412,4413,4414	
,4415	35981	DHCR7; 7-デヒドロコレステロー
ル レダクターゼ		
201791_s_at	4416,4417,4418,4419,4420,4421,4422,4423,4424,4425	
,4426	35982	DHCR7; 7-デヒドロコレステロー
ル レダクターゼ		
201792_at	4427,4428,4429,4430,4431,4432,4433,4434,4435,4436,4	
437	35983	AEBP1; AE 結合タンパク質 1
201804_x_at	4438,4439,4440,4441,4442,4443,4444,4445,4446,4447	
,4448	35984	CKAP1; 細胞骨格関連タンパク質
1		
201805_at	4449,4450,4451,4452,4453,4454,4455,4456,4457,4458,4	
459	35985	PRKAG1; タンパク質 キナーゼ, AMP
活性化, γ 1 非触媒性サブユニット		
201816_s_at	4460,4461,4462,4463,4464,4465,4466,4467,4468,4469	
,4470	35986	GBAS; グリア芽腫増幅配列
201825_s_at	4471,4472,4473,4474,4475,4476,4477,4478,4479,4480	
,4481	35987	CGI-49; CGI-49 タンパク質
201828_x_at	4482,4483,4484,4485,4486,4487,4488,4489,4490,4491	
,4492	35988	CXX1; CAAXボックス 1
201835_s_at	4493,4494,4495,4496,4497,4498,4499,4500,4501,4502	
,4503	35989	PRKAB1; タンパク質 キナーゼ, A
MP活性化, β 1 非触媒性サブユニット		
201837_s_at	4504,4505,4506,4507,4508,4509,4510,4511,4512,4513	
,4514	35990	STAF65(γ); SPTF関連因子 65 γ
201839_s_at	4515,4516,4517,4518,4519,4520,4521,4522,4523,4524	
,4525	35991	TACSTD1; 腫瘍関連 カルシウムシ
グナルトランスデューサ 1		
201841_s_at	4526,4527,4528,4529,4530,4531,4532,4533,4534,4535	
,4536	35992	HSPB1; ヒートショック 27kDa タ
ンパク質 1		

201842_s_at	4537, 4538, 4539, 4540, 4541, 4542, 4543, 4544, 4545, 4546	
, 4547	35993	EFEMP1; EGF含有 フィブリン様
細胞外マトリックスタンパク質 1		
201843_s_at	4548, 4549, 4550, 4551, 4552, 4553, 4554, 4555, 4556, 4557	
, 4558	35994	EFEMP1; EGF含有 フィブリン様
細胞外マトリックス タンパク質 1		
201850_at	4559, 4560, 4561, 4562, 4563, 4564, 4565, 4566, 4567, 4568, 4	
569	35995	CAPG; キャッピングタンパク質 (ア
クチンフィラメント), ゲルソリン様		
201852_x_at	4570, 4571, 4572, 4573, 4574, 4575, 4576, 4577, 4578, 4579	
, 4580	35996	COL3A1; コラーゲン, III型, α
1(Ehlers-Danlos症候群 IV型, 常染色体優性)		
201858_s_at	4581, 4582, 4583, 4584, 4585, 4586, 4587, 4588, 4589, 4590	
, 4591	35997	PRG1; プロテオグリカン 1, 分泌
性顆粒		
201865_x_at	4592, 4593, 4594, 4595, 4596, 4597, 4598, 4599, 4600, 4601	
, 4602	35998	NR3C1; 核レセプター サブファミ
リー 3, 群C, メンバー1 (糖質コルチコイド レセプター)		
201867_s_at	4603, 4604, 4605, 4606, 4607, 4608, 4609, 4610, 4611, 4612	
, 4613	35999	TBL1X; トランスデューシン (β)
様 1X結合		
201868_s_at	4614, 4615, 4616, 4617, 4618, 4619, 4620, 4621, 4622, 4623	
, 4624	36000	TBL1X; トランスデューシン (β)
様 1X結合		
201869_s_at	4625, 4626, 4627, 4628, 4629, 4630, 4631, 4632, 4633, 4634	
, 4635	36001	TBL1X; トランスデューシン (β)
様 1X結合		
201872_s_at	4636, 4637, 4638, 4639, 4640, 4641, 4642, 4643, 4644, 4645	
, 4646	36002	ABCE1; ATP結合カセット, サブフ
ァミリー E(OABP), メンバー1		
201881_s_at	4647, 4648, 4649, 4650, 4651, 4652, 4653, 4654, 4655, 4656	
, 4657	36003	ARIH1; アリアドネ ホモログ, ユ
ビキチン-結合酵素E2 結合タンパク質, 1 (Drosophila)		
201883_s_at	4658, 4659, 4660, 4661, 4662, 4663, 4664, 4665, 4666, 4667	
, 4668	36004	B4GALT1; UDP-Gal: β GlcNAc β 1
, 4- ガラクトシルトランスフェラーゼ, ポリペプチド 1		
201891_s_at	4669, 4670, 4671, 4672, 4673, 4674, 4675, 4676, 4677, 4678	
, 4679	36005	B2M; β -2-ミクログロブリン
201892_s_at	4680, 4681, 4682, 4683, 4684, 4685, 4686, 4687, 4688, 4689	
, 4690	36006	IMPDH2; IMP (イノシンーリン酸)
デヒドロゲナーゼ2		
201893_x_at	4691, 4692, 4693, 4694, 4695, 4696, 4697, 4698, 4699, 4700	
, 4701	36007	DCN; デコリン
201896_s_at	4702, 4703, 4704, 4705, 4706, 4707, 4708, 4709, 4710, 4711	
, 4712	36008	DDA3; ディファレンシャルディス
プレイおよびp53による活性化		
201898_s_at	4713, 4714, 4715, 4716, 4717, 4718, 4719, 4720, 4721, 4722	
, 4723	36009	UBE2A; ユビキチン-結合酵素 E2A
(RAD6 ホモログ)		
201900_s_at	4724, 4725, 4726, 4727, 4728, 4729, 4730, 4731, 4732, 4733	

,4734	36010	AKR1A1; アルドーケトレダクターゼファミリー 1, メンバーA1 (アルデヒドレダクターゼ)
201903_at	4735,4736,4737,4738,4739,4740,4741,4742,4743,4744,4745	
745	36011	UQCRC1; ユビキノール-シトクロム c レダクターゼ コアタンパク質 I
201905_s_at	4746,4747,4748,4749,4750,4751,4752,4753,4754,4755,4756	
,4756	36012	CTDSPL; CTD (カルボキシ末端ドメイン, RNA ポリメラーゼII, ポリペプチド A) 小型ホスファターゼ様
201909_at	4757,4758,4759,4760,4761,4762,4763,4764,4765,4766,4767	
767	36013	RPS4Y1; リボソームタンパク質 S4, Y結合 1
201912_s_at	4768,4769,4770,4771,4772,4773,4774,4775,4776,4777,4778	
,4778	36014	GSPT1; G1~S期 遷移 1
201913_s_at	4779,4780,4781,4782,4783,4784,4785,4786,4787,4788,4789	
,4789	36015	COASY; 補酵素 A シンターゼ
201923_at	4790,4791,4792,4793,4794,4795,4796,4797,4798,4799,4800	
800	36016	PRDX4; ペルオキシレドキシン 4
201930_at	4801,4802,4803,4804,4805,4806,4807,4808,4809,4810,4811	
811	36017	MCM6; MCM6 ミニ染色体 維持欠損 6 (MIS5 ホモログ, <i>S. pombe</i>) (<i>S. cerevisiae</i>)
201931_at	4812,4813,4814,4815,4816,4817,4818,4819,4820,4821,4822	
822	36018	ETFA; 電子伝達-フラビンタンパク質, α ポリペプチド (グルタル酸尿症 II)
201932_at	4823,4824,4825,4826,4827,4828,4829,4830,4831,4832,4833	
833	36019	MUF1; MUF1 タンパク質
201934_at	4834,4835,4836,4837,4838,4839,4840,4841,4842,4843,4844	
844	36020	PRO2730; 仮想タンパク質 PRO2730
201937_s_at	4845,4846,4847,4848,4849,4850,4851,4852,4853,4854,4855	
,4855	36021	DNPEP; アスパルチル アミノペプチダーゼ
201940_at	4856,4857,4858,4859,4860,4861,4862,4863,4864,4865,4866	
866	36022	CPD; カルボキシペプチダーゼ D
201942_s_at	4867,4868,4869,4870,4871,4872,4873,4874,4875,4876,4877	
,4877	36023	CPD; カルボキシペプチダーゼ D
201943_s_at	4878,4879,4880,4881,4882,4883,4884,4885,4886,4887,4888	
,4888	36024	CPD; カルボキシペプチダーゼ D
201944_at	4889,4890,4891,4892,4893,4894,4895,4896,4897,4898,4899	
899	36025	HEXB; ヘキササミニダーゼ B (β ポリペプチド)
201946_s_at	4900,4901,4902,4903,4904,4905,4906,4907,4908,4909,4910	
,4910	36026	CCT2; シャペロニン含有TCP1, サブユニット 2 (β)
201947_s_at	4911,4912,4913,4914,4915,4916,4917,4918,4919,4920,4921	
,4921	36027	CCT2; シャペロニン含有TCP1, サブユニット 2 (β)
201953_at	4922,4923,4924,4925,4926,4927,4928,4929,4930,4931,4932	
932	36028	CIB1; カルシウムおよびインテグリン 結合1 (カルミリン)
201955_at	4933,4934,4935,4936,4937,4938,4939,4940,4941,4942,4943	
943	36029	CCNC; サイクリン C

201957_at	4944,4945,4946,4947,4948,4949,4950,4951,4952,4953,4954	36030	PPP1R12B; タンパク質 ホスファターゼ 1, 調節性(インヒビター) サブユニット 12B
201958_s_at	4955,4956,4957,4958,4959,4960,4961,4962,4963,4964,4965	36031	PPP1R12B; タンパク質 ホスファターゼ 1, 調節性(インヒビター) サブユニット 12B
201961_s_at	4966,4967,4968,4969,4970,4971,4972,4973,4974,4975,4976	36032	RNF41; リングフィンガー タンパク質 41
201963_at	4977,4978,4979,4980,4981,4982,4983,4984,4985,4986,4987	36033	ACSL1; アシル-CoA シンテターゼ 長鎖ファミリー メンバー1
201968_s_at	4988,4989,4990,4991,4992,4993,4994,4995,4996,4997,4998	36034	PGM1; ホスホグルコムターゼ 1
201971_s_at	4999,5000,5001,5002,5003,5004,5005,5006,5007,5008,5009	36035	ATP6V1A; ATPase, H+ 輸送, リソソーム70kDa, V1 サブユニット A
201977_s_at	5010,5011,5012,5013,5014,5015,5016,5017,5018,5019,5020	36036	KIAA0141; KIAA0141 遺伝子産物
201980_s_at	5021,5022,5023,5024,5025,5026,5027,5028,5029,5030,5031	36037	RSU1; Rasサブレッサタンパク質 1
201988_s_at	5032,5033,5034,5035,5036,5037,5038,5039,5040,5041,5042	36038	CREBL2; cAMP応答性エレメント結合タンパク質様 2
201992_s_at	5043,5044,5045,5046,5047,5048,5049,5050,5051,5052,5053	36039	KIF5B; キネシンファミリー メンバー5B
201993_x_at	5054,5055,5056,5057,5058,5059,5060,5061,5062,5063,5064	36040	HNRPDL; 異種核リボヌクレオタンパク質 D様
201995_at	5065,5066,5067,5068,5069,5070,5071,5072,5073,5074,5075	36041	EXT1; 外骨症(多発性) 1
202000_at	5076,5077,5078,5079,5080,5081,5082,5083,5084,5085,5086	36042	NDUFA6; NADH デヒドロゲナーゼ(ユビキノン) 1 α 小成分, 6, 14kDa
202003_s_at	5087,5088,5089,5090,5091,5092,5093,5094,5095,5096,5097	36043	ACAA2; アセチル-補酵素 A アシルトランスフェラーゼ 2 (ミトコンドリア 3-オキシアシル-補酵素 A チオラーゼ)
202005_at	5098,5099,5100,5101,5102,5103,5104,5105,5106,5107,5108	36044	ST14; 腫瘍形成能 14の抑制(結腸癌, マトリプターゼ, エピシン)
202009_at	5109,5110,5111,5112,5113,5114,5115,5116,5117,5118,5119	36045	PTK9L; PTK9L タンパク質 チロシンキナーゼ 9様(A6関連 タンパク質)
202012_s_at	5120,5121,5122,5123,5124,5125,5126,5127,5128,5129,5130	36046	EXT2; 外骨症(多発性) 2
202018_s_at	5131,5132,5133,5134,5135,5136,5137,5138,5139,5140,5141	36047	LTF; 乳酸トランスフェリン
202021_x_at	5142,5143,5144,5145,5146,5147,5148,5149,5150,5151		

,5152	36048	SUI1; 推定翻訳開始因子
202022_at	5153,5154,5155,5156,5157,5158,5159,5160,5161,5162,5	
163	36049	ALDOC; アルドラーゼ C, フルクト
ース-ビスホスフェート		
202023_at	5164,5165,5166,5167,5168,5169,5170,5171,5172,5173,5	
174	36050	EFNA1; エフリン-A1
202026_at	5175,5176,5177,5178,5179,5180,5181,5182,5183,5184,5	
185	36051	SDHD; コナク酸デヒドロゲナーゼ
複合体, サブユニットD, 内在性膜タンパク質		
202033_s_at	5186,5187,5188,5189,5190,5191,5192,5193,5194,5195	
,5196	36052	RB1CC1; RB1誘導性 コイルドコイ
ル 1		
202036_s_at	5197,5198,5199,5200,5201,5202,5203,5204,5205,5206	
,5207	36053	SFRP1; 分泌型 frizzled関連 タ
ンパク質 1		
202037_s_at	5208,5209,5210,5211,5212,5213,5214,5215,5216,5217	
,5218	36054	SFRP1; 分泌型 frizzled関連 タ
ンパク質 1		
202041_s_at	5219,5220,5221,5222,5223,5224,5225,5226,5227,5228	
,5229	36055	FIBP; 線維芽細胞 成長因子 (酸
性) 細胞内結合タンパク質		
202047_s_at	5230,5231,5232,5233,5234,5235,5236,5237,5238,5239	
,5240	36056	CBX6; クロモボックス ホモログ
6		
202048_s_at	5241,5242,5243,5244,5245,5246,5247,5248,5249,5250	
,5251	36057	CBX6; クロモボックス ホモログ
6		
202052_s_at	5252,5253,5254,5255,5256,5257,5258,5259,5260,5261	
,5262	36058	RAI14; レチノイン酸誘導性 14
202055_at	5263,5264,5265,5266,5267,5268,5269,5270,5271,5272,5	
273	36059	KPNA1; カリオフェリン α 1 (イン
ポーチン α 5)		
202058_s_at	5274,5275,5276,5277,5278,5279,5280,5281,5282,5283	
,5284	36060	KPNA1; カリオフェリン α 1 (イ
ンポーチン α 5)		
202059_s_at	5285,5286,5287,5288,5289,5290,5291,5292,5293,5294	
,5295	36061	KPNA1; カリオフェリン α 1 (イ
ンポーチン α 5)		
202061_s_at	5296,5297,5298,5299,5300,5301,5302,5303,5304,5305	
,5306	36062	SEL1L; lin-12様の sel-1サブレッ
サ (C.elegans)		
202064_s_at	5307,5308,5309,5310,5311,5312,5313,5314,5315,5316	
,5317	36063	SEL1L; lin-12様の sel-1サブレッ
サ (C.elegans)		
202069_s_at	5318,5319,5320,5321,5322,5323,5324,5325,5326,5327	
,5328	36064	IDH3A; イソクエン酸 デヒドロゲ
ナーゼ 3(NAD ⁺) α		
202072_at	5329,5330,5331,5332,5333,5334,5335,5336,5337,5338,5	
339	36065	HNRPL; 異種核リボヌクレオタンパ
ク質 L		

202073_at	5340,5341,5342,5343,5344,5345,5346,5347,5348,5349,5
350	36066 OPTN; オプティニューリン
202074_s_at	5351,5352,5353,5354,5355,5356,5357,5358,5359,5360
,5361	36067 OPTN; オプティニューリン
202075_s_at	5362,5363,5364,5365,5366,5367,5368,5369,5370,5371
,5372	36068 PLTP; ホスホリピド転移タンパク質
202077_at	5373,5374,5375,5376,5377,5378,5379,5380,5381,5382,5
383	36069 NDUFAB1; NADH デヒドロゲナーゼ (ユビキノン) 1, α / β 小成分, 1, 8kDa
202081_at	5384,5385,5386,5387,5388,5389,5390,5391,5392,5393,5
394	36070 IER2; 最初期応答 2
202086_at	5395,5396,5397,5398,5399,5400,5401,5402,5403,5404,5
405	36071 MX1; ミクソウイルス (インフルエンザウイルス) 耐性1, インターフェロン誘導性 タンパク質 p78 (マウス)
202089_s_at	5406,5407,5408,5409,5410,5411,5412,5413,5414,5415
,5416	36072 SLC39A6; 溶質キャリアファミリー 39 (亜鉛トランスポーター), メンバー6
202092_s_at	5417,5418,5419,5420,5421,5422,5423,5424,5425,5426
,5427	36073 ARL2BP; ADPリボシル化因子様 2 結合タンパク質
202095_s_at	5428,5429,5430,5431,5432,5433,5434,5435,5436,5437
,5438	36074 BIRC5; パキュロウイルス IAP 繰返し含有 5 (サービビン)
202096_s_at	5439,5440,5441,5442,5443,5444,5445,5446,5447,5448
,5449	36075 BZRP; ベンゾジアゼピン レセプター (末梢)
202100_at	5450,5451,5452,5453,5454,5455,5456,5457,5458,5459,5
460	36076 RALB; v-ral サル白血球ウイルスオンコジーンホモログB (ras 関連; GTP 結合タンパク質)
202101_s_at	5461,5462,5463,5464,5465,5466,5467,5468,5469,5470
,5471	36077 RALB; v-ral サル白血球ウイルスオンコジーンホモログ B (ras関連; GTP 結合タンパク質)
202105_at	5472,5473,5474,5475,5476,5477,5478,5479,5480,5481,5
482	36078 IGBP1; 免疫グロブリン(CD79A) 結合タンパク質 1
202109_at	5483,5484,5485,5486,5487,5488,5489,5490,5491,5492,5
493	36079 ARFIP2; ADPリボシル化因子 相互作用 タンパク質 2(アルファブチン 2)
202116_at	5494,5495,5496,5497,5498,5499,5500,5501,5502,5503,5
504	36080 DPF2; D4, 亜鉛および二重 PHD フインガーファミリー2
202117_at	5505,5506,5507,5508,5509,5510,5511,5512,5513,5514,5
515	36081 ARHGAP1; Rho GTPase活性化タンパク質 1
202120_x_at	5516,5517,5518,5519,5520,5521,5522,5523,5524,5525
,5526	36082 AP2S1; アダプター関連 タンパク質複合体 2, σ 1 サブユニット
202121_s_at	5527,5528,5529,5530,5531,5532,5533,5534,5535,5536
,5537	36083 BC-2; 推定胸部腺癌マーカー (32

kD)		
202122_s_at	5538,5539,5540,5541,5542,5543,5544,5545,5546,5547	
,5548	36084	M6PRBP1; マンノース-6-ホスフェ
ート レセプター 結合タンパク質 1		
202123_s_at	5549,5550,5551,5552,5553,5554,5555,5556,5557,5558	
,5559	36085	ABL1; v-abl Abelson マウス白血
病ウイルスオンコジーンホモログ 1		
202129_s_at	5560,5561,5562,5563,5564,5565,5566,5567,5568,5569	
,5570	36086	RIOK3; RIO キナーゼ 3 (酵母)
202130_at	5571,5572,5573,5574,5575,5576,5577,5578,5579,5580,5	
581	36087	RIOK3; RIO キナーゼ 3 (酵母)
202132_at	5582,5583,5584,5585,5586,5587,5588,5589,5590,5591,5	
592	36088	TAZ; PDZ結合モチーフを有する転写
共活性化因子(TAZ)		
202133_at	5593,5594,5595,5596,5597,5598,5599,5600,5601,5602,5	
603	36089	TAZ; PDZ結合モチーフを有する転写
共活性化因子(TAZ)		
202137_s_at	5604,5605,5606,5607,5608,5609,5610,5611,5612,5613	
,5614	36090	ZMYND11; ジンクフィンガー, MYN
Dドメイン含有11		
202138_x_at	5615,5616,5617,5618,5619,5620,5621,5622,5623,5624	
,5625	36091	JTV1; JTV1遺伝子
202139_at	5626,5627,5628,5629,5630,5631,5632,5633,5634,5635,5	
636	36092	AKR7A2; アルドーケトレダクターゼ
ファミリー 7, メンバーA2(アフラトキシン アルデヒドレダクターゼ)		
202142_at	5637,5638,5639,5640,5641,5642,5643,5644,5645,5646,5	
647	36093	COPS8; COP9 構成的光形態形成 ホ
モログ サブユニット 8 (Arabidopsis)		
202144_s_at	5648,5649,5650,5651,5652,5653,5654,5655,5656,5657	
,5658	36094	ADSL; アデニロコナク酸リアーゼ
202148_s_at	5659,5660,5661,5662,5663,5664,5665,5666,5667,5668	
,5669	36095,36096	PYCR1; ピロリン-5-カルボ
ン酸 レダクターゼ1		
202154_x_at	5670,5671,5672,5673,5674,5675,5676,5677,5678,5679	
,5680	36097	TUBB4; チューブリン, β , 4
202156_s_at	5681,5682,5683,5684,5685,5686,5687,5688,5689,5690	
,5691	36098	CUGBP2; CUG 三塩基反復, RNA 結
合タンパク質 2		
202157_s_at	5692,5693,5694,5695,5696,5697,5698,5699,5700,5701	
,5702	36099	CUGBP2; CUG 三塩基反復, RNA 結
合タンパク質 2		
202159_at	5703,5704,5705,5706,5707,5708,5709,5710,5711,5712,5	
713	36100	FARSLA; フェニルアラニン-tRNA シ
ンテターゼ様, α サブユニット		
202161_at	5714,5715,5716,5717,5718,5719,5720,5721,5722,5723,5	
724	36101	PKN1; タンパク質 キナーゼ N1
202162_s_at	5725,5726,5727,5728,5729,5730,5731,5732,5733,5734	
,5735	36102	CNOT8; CCR4-NOT 転写複合体, サ
ブユニット 8		
202166_s_at	5736,5737,5738,5739,5740,5741,5742,5743,5744,5745	

,5746	36103,36104	PPP1R2; タンパク質 ホス
ファクターゼ 1, 調節性(インヒビター) サブユニット 2		
202168_at	5747,5748,5749,5750,5751,5752,5753,5754,5755,5756,5	
757	36105	TAF9; TAF9 RNA ポリメラーゼ II,
TATAボックス 結合タンパク質(TBP)関連因子, 32kDa		
202172_at	5758,5759,5760,5761,5762,5763,5764,5765,5766,5767,5	
768	36106	ZNF161; ジンクフィンガータンパク
質 161		
202177_at	5769,5770,5771,5772,5773,5774,5775,5776,5777,5778,5	
779	36107	GAS6; 成長停止特異的 6
202180_s_at	5780,5781,5782,5783,5784,5785,5786,5787,5788,5789	
,5790	36108	MVP; 主要なボールタンパク質
202192_s_at	5791,5792,5793,5794,5795,5796,5797,5798,5799,5800	
,5801	36109	GAS7; 成長停止特異的 7
202193_at	5802,5803,5804,5805,5806,5807,5808,5809,5810,5811,5	
812	36110	LIMK2; LIMドメイン キナーゼ 2
202196_s_at	5813,5814,5815,5816,5817,5818,5819,5820,5821,5822	
,5823	36111	DKK3; dickkopf ホモログ 3 (ア
フリカツメガエル)		
202201_at	5824,5825,5826,5827,5828,5829,5830,5831,5832,5833,5	
834	36112	BLVRB; ビリベルジン レダクターゼ
B (フラビンレダクターゼ(NADPH))		
202202_s_at	5835,5836,5837,5838,5839,5840,5841,5842,5843,5844	
,5845	36113	LAMA4; ラミニン, α 4
202205_at	5846,5847,5848,5849,5850,5851,5852,5853,5854,5855,5	
856	36114	VASP; 血管拡張神経刺激リンタンパ
ク質		
202209_at	5857,5858,5859,5860,5861,5862,5863,5864,5865,5866,5	
867	36115	LSM3; LSM3 ホモログ, U6 小型核RN
A関連 (S.cerevisiae)		
202217_at	5868,5869,5870,5871,5872,5873,5874,5875,5876,5877,5	
878	36116	C21orf33; 染色体 21 オープンリー
ディングフレーム33		
202222_s_at	5879,5880,5881,5882,5883,5884,5885,5886,5887,5888	
,5889	36117	DES; デスミン
202228_s_at	5890,5891,5892,5893,5894,5895,5896,5897,5898,5899	
,5900	36118	SDFR1; 間質細胞由来因子 レセプ
ター 1		
202241_at	5901,5902,5903,5904,5905,5906,5907,5908,5909,5910,5	
911	36119	TRIB1; トリプル ホモログ 1 (Dros
ophila)		
202242_at	5912,5913,5914,5915,5916,5917,5918,5919,5920,5921,5	
922	36120	TM4SF2; 膜貫通 4 スーパーファミ
リー メンバー2		
202246_s_at	5923,5924,5925,5926,5927,5928,5929,5930,5931,5932	
,5933	36121	CDK4; サイクリン依存性 キナー
ゼ 4		
202247_s_at	5934,5935,5936,5937,5938,5939,5940,5941,5942,5943	
,5944	36122	MTA1; 転移関連 1
202252_at	5945,5946,5947,5948,5949,5950,5951,5952,5953,5954,5	

955	36123	RAB13; RAB13, メンバーRAS オンコ
ジーンファミリー		
202254_at	5956,5957,5958,5959,5960,5961,5962,5963,5964,5965,5	
966	36124	CDNAクローン IMAGE:5286091, 部分
的 cds		
202261_at	5967,5968,5969,5970,5971,5972,5973,5974,5975,5976,5	
977	36125	TCFL1; 転写因子様 1
202262_x_at	5978,5979,5980,5981,5982,5983,5984,5985,5986,5987	
,5988	36126	DDAH2; ジメチルアルギニン ジメ
チルアミノヒドロラーゼ 2		
202266_at	5989,5990,5991,5992,5993,5994,5995,5996,5997,5998,5	
999	36127	TTRAP; TRAFおよびTNF レセプター
関連タンパク質		
202269_x_at	6000,6001,6002,6003,6004,6005,6006,6007,6008,6009	
,6010	36128	GBP1; グアニル酸結合タンパク質
1, インターフェロン誘導性,67kDa		
202272_s_at	6011,6012,6013,6014,6015,6016,6017,6018,6019,6020	
,6021	36129	FBX028; Fボックス タンパク質 2
8		
202273_at	6022,6023,6024,6025,6026,6027,6028,6029,6030,6031,6	
032	36130	PDGFRB; 血小板由来 成長因子 レセ
プター, β ポリペプチド		
202274_at	6033,6034,6035,6036,6037,6038,6039,6040,6041,6042,6	
043	36131	ACTG2; アクチン, γ 2, 平滑筋,
腸		
202283_at	6044,6045,6046,6047,6048,6049,6050,6051,6052,6053,6	
054	36132	SERPINF1; セリン (またはシステイ
ン) プロテイナーゼインヒビター, クレイド F (α -2 抗プラスミン, 色素上皮由来因子		
), メンバー1		
202286_s_at	6055,6056,6057,6058,6059,6060,6061,6062,6063,6064	
,6065	36133	TACSTD2; 腫瘍関連 カルシウムシ
グナルトランスデューサ 2		
202290_at	6066,6067,6068,6069,6070,6071,6072,6073,6074,6075,6	
076	36134	PDAP1;PDGFA 関連タンパク質 1
202291_s_at	6077,6078,6079,6080,6081,6082,6083,6084,6085,6086	
,6087	36135	MGP; マトリックスGla タンパク
質		
202296_s_at	6088,6089,6090,6091,6092,6093,6094,6095,6096,6097	
,6098	36136	RER1; RER1 ホモログ (S. cerevi
siae)		
202297_s_at	6099,6100,6101,6102,6103,6104,6105,6106,6107,6108	
,6109	36137	RER1; RER1 ホモログ (S. cerevi
siae)		
202308_at	6110,6111,6112,6113,6114,6115,6116,6117,6118,6119,6	
120	36138	SREBF1; ステロール 調節性エレメ
ント結合転写因子1		
202316_x_at	6121,6122,6123,6124,6125,6126,6127,6128,6129,6130	
,6131	36139	UBE4B; ユビキチン化因子 E4B (U
FD2 ホモログ, 酵母)		
202343_x_at	6132,6133,6134,6135,6136,6137,6138,6139,6140,6141	

,6142 ゼ サブユニットVb	36140	COX5B; シトクロム c オキシダー
202346_at 153 パク質 2	6143,6144,6145,6146,6147,6148,6149,6150,6151,6152,6 36141	HIP2; ハンチンチン 相互作用 タン
202350_s_at ,6164	6154,6155,6156,6157,6158,6159,6160,6161,6162,6163 36142	MATN2; マトリリン 2
202357_s_at ,6175	6165,6166,6167,6168,6169,6170,6171,6172,6173,6174 36143	BF; B因子, プロパージン
202362_at 186 ファミリーのメンバー	6176,6177,6178,6179,6180,6181,6182,6183,6184,6185,6 36144	RAP1A; RAP1A, RAS オンコジーンフ
202371_at 197 4	6187,6188,6189,6190,6191,6192,6193,6194,6195,6196,6 36145	TCEAL4; 転写 伸長因子 A (SII)様
202372_at 208 タンパク質, 非触媒性サブユニット (150kD)	6198,6199,6200,6201,6202,6203,6204,6205,6206,6207,6 36146	RAB3-GAP150; rab3 GTPase活性化
202388_at 219 の調節因子 2,24kDa	6209,6210,6211,6212,6213,6214,6215,6216,6217,6218,6 36147	RGS2; G-タンパク質 シグナル伝達
202395_at 230 子	6220,6221,6222,6223,6224,6225,6226,6227,6228,6229,6 36148	NSF; N-エチルマレイミド感受性因
202399_s_at ,6241 質複合体 3, σ 2 サブユニット	6231,6232,6233,6234,6235,6236,6237,6238,6239,6240 36149	AP3S2; アダプター関連 タンパク
202401_s_at ,6252 答エレメント結合 転写因子)	6242,6243,6244,6245,6246,6247,6248,6249,6250,6251 36150	SRF; 血清応答因子 (c-fos血清応
202403_s_at ,6263	6253,6254,6255,6256,6257,6258,6259,6260,6261,6262 36151	COL1A2; コラーゲン, I型, α 2
202404_s_at ,6274 2	6264,6265,6266,6267,6268,6269,6270,6271,6272,6273 36152	COL1A2; コラーゲン, type I, α
202406_s_at ,6285 NA 結合タンパク質様 1	6275,6276,6277,6278,6279,6280,6281,6282,6283,6284 36153	TIAL1; TIA1 細胞毒性顆粒関連 R
202407_s_at ,6296 ング因子 31 ホモログ (酵母)	6286,6287,6288,6289,6290,6291,6292,6293,6294,6295 36154	PRPF31; PRP31 プレ mRNA プロセシ
202409_at 307 ソマトメジン A)	6297,6298,6299,6300,6301,6302,6303,6304,6305,6306,6 36155	IGF2; インスリン様 成長因子 2 (
202410_x_at ,6318 (ソマトメジン A)	6308,6309,6310,6311,6312,6313,6314,6315,6316,6317 36156	IGF2; インスリン様 成長因子 2
202411_at	6319,6320,6321,6322,6323,6324,6325,6326,6327,6328,6	

329	36157	IFI27; インターフェロン, α 誘導
性 タンパク質27		
202418_at	6330,6331,6332,6333,6334,6335,6336,6337,6338,6339,6	
340	36158	YIF1; Yip1 相互作用因子 ホモログ
(<i>S.cerevisiae</i>)		
202424_at	6341,6342,6343,6344,6345,6346,6347,6348,6349,6350,6	
351	36159	MAP2K2; マイトジェン活性化 タン
パク質 キナーゼ キナーゼ 2		
202427_s_at	6352,6353,6354,6355,6356,6357,6358,6359,6360,6361	
,6362	36160	DKFZP564B167; DKFZP564B167 タ
ンパク質		
202428_x_at	6363,6364,6365,6366,6367,6368,6369,6370,6371,6372	
,6373	36161	DBI; ジアゼパム結合インヒビタ
ー (GABA レセプター調節, アシル-補酵素 A 結合タンパク質)		
202429_s_at	6374,6375,6376,6377,6378,6379,6380,6381,6382,6383	
,6384	36162	PPP3CA; タンパク質 ホスファタ
ーゼ 3 (以前は2B), 触媒性サブユニット, α アイソフォーム (カルシニューリン A α)		
202432_at	6385,6386,6387,6388,6389,6390,6391,6392,6393,6394,6	
395	36163	PPP3CB; タンパク質 ホスファター
ゼ 3 (以前は2B), 触媒性サブユニット, β アイソフォーム (カルシニューリン A β)		
202433_at	6396,6397,6398,6399,6400,6401,6402,6403,6404,6405,6	
406	36164	SLC35B1; 溶質キャリアファミリー
35, メンバーB1		
202439_s_at	6407,6408,6409,6410,6411,6412,6413,6414,6415,6416	
,6417	36165	IDS; イズロネート 2-スルファタ
ーゼ(Hunter症候群)		
202440_s_at	6418,6419,6420,6421,6422,6423,6424,6425,6426,6427	
,6428	36166	ST5; 腫瘍形成能 5の抑制
202442_at	6429,6430,6431,6432,6433,6434,6435,6436,6437,6438,6	
439	36167	AP3S1; アダプター関連 タンパク質
複合体 3, $\sigma 1$ サブユニット		
202450_s_at	6440,6441,6442,6443,6444,6445,6446,6447,6448,6449	
,6450	36168	CTSK; カテプシン K (ピクノディ
スオストーシス)		
202456_s_at	6451,6452,6453,6454,6455,6456,6457,6458,6459,6460	
,6461	36169	C9orf60; 染色体 9 オープンリー
ディングフレーム60		
202457_s_at	6462,6463,6464,6465,6466,6467,6468,6469,6470,6471	
,6472	36170	PPP3CA; タンパク質 ホスファタ
ーゼ 3 (以前は2B), 触媒性サブユニット, α アイソフォーム (カルシニューリン A α)		
202458_at	6473,6474,6475,6476,6477,6478,6479,6480,6481,6482,6	
483	36171	PRSS23; プロテアーゼ, セリン, 23
202465_at	6484,6485,6486,6487,6488,6489,6490,6491,6492,6493,6	
494	36172	PCOLCE; プロコラーゲン C-エンド
ペプチダーゼエンハンサー		
202475_at	6495,6496,6497,6498,6499,6500,6501,6502,6503,6504,6	
505	36173	NIFIE14; 7回膜貫通ドメイン タン
パク質		

202477_s_at ,6516 体関連タンパク質2	6506,6507,6508,6509,6510,6511,6512,6513,6514,6515 36174	TUBGCP2; チューブリン, γ 複合
202480_s_at ,6527 ン含有	6517,6518,6519,6520,6521,6522,6523,6524,6525,6526 36175	DEDD; デスエフェクタードメイン
202481_at 538 ーゼ (SDRファミリー)メンバー3	6528,6529,6530,6531,6532,6533,6534,6535,6536,6537,6538 36176	DHRS3; デヒドロゲナーゼ/レダクター
202487_s_at ,6549 メンバーV	6539,6540,6541,6542,6543,6544,6545,6546,6547,6548 36177	H2AFV; H2A ヒストンファミリー,
202497_x_at ,6560 2 (促進グルコース輸送体),メンバー3	6550,6551,6552,6553,6554,6555,6556,6557,6558,6559 36178	SLC2A3; 溶質キャリアファミリー
202499_s_at ,6571 2 (促進グルコース輸送体),メンバー3	6561,6562,6563,6564,6565,6566,6567,6568,6569,6570 36179	SLC2A3; 溶質キャリアファミリー
202501_at 582 P/EBファミリー, メンバー2	6572,6573,6574,6575,6576,6577,6578,6579,6580,6581,6582 36180	MAPRE2; 微小管関連タンパク質, R
202504_at 593	6583,6584,6585,6586,6587,6588,6589,6590,6591,6592,6593 36181	TRIM29; 3部のモチーフ含有 29
202506_at 604	6594,6595,6596,6597,6598,6599,6600,6601,6602,6603,6604 36182	SSFA2; 精子特異的抗原 2
202510_s_at ,6615 性タンパク質 2	6605,6606,6607,6608,6609,6610,6611,6612,6613,6614 36183	TNFAIP2; 腫瘍壊死因子, α 誘導
202514_at 626	6616,6617,6618,6619,6620,6621,6622,6623,6624,6625,6626 36184	DLG1; DKFZP586B0319 タンパク質
202520_s_at ,6637 非ポリープ性 2型(E. coli)	6627,6628,6629,6630,6631,6632,6633,6634,6635,6636 36185	MLH1; mutL ホモログ 1, 結腸癌,
202522_at 648 ル転移タンパク質, β	6638,6639,6640,6641,6642,6643,6644,6645,6646,6647,6648 36186	PITPNB; ホスファチジルイノシトール
202525_at 659 プロスタシン)	6649,6650,6651,6652,6653,6654,6655,6656,6657,6658,6659 36187	PRSS8; プロテアーゼ, セリン, 8 (
202530_at 670 パク質 キナーゼ14	6660,6661,6662,6663,6664,6665,6666,6667,6668,6669,6670 36188	MAPK14; マイトジェン活性化タン
202534_x_at ,6681	6671,6672,6673,6674,6675,6676,6677,6678,6679,6680 36189	DHFR; ジヒドロ葉酸レダクターゼ
202542_s_at ,6692 サブファミリーE, メンバー1 (内皮単球活性化)	6682,6683,6684,6685,6686,6687,6688,6689,6690,6691 36190	SCYE1; 小型誘導性サイトカイン
202543_s_at ,6703	6693,6694,6695,6696,6697,6698,6699,6700,6701,6702 36191	GMFB; グリア成熟因子, β
202545_at	6704,6705,6706,6707,6708,6709,6710,6711,6712,6713,6714	

714	36192	PRKCD; タンパク質 キナーゼ C, δ
202548_s_at	6715,6716,6717,6718,6719,6720,6721,6722,6723,6724	
,6725	36193	ARHGEF7; Rho グアニンヌクレオ
チド 交換因子(GEF) 7		
202550_s_at	6726,6727,6728,6729,6730,6731,6732,6733,6734,6735	
,6736	36194	VAPB; VAMP (小胞関連膜タンパク
質)関連 タンパク質BおよびC		
202554_s_at	6737,6738,6739,6740,6741,6742,6743,6744,6745,6746	
,6747	36195	GSTM3; グルタチオンS-トランス
フェラーゼ M3(脳)		
202555_s_at	6748,6749,6750,6751,6752,6753,6754,6755,6756,6757	
,6758	36196	MYLK; ミオシン, 軽ポリペプチド
キナーゼ		
202564_x_at	6759,6760,6761,6762,6763,6764,6765,6766,6767,6768	
,6769	36197	ARL2; ADPリボシル化因子様 2
202565_s_at	6770,6771,6772,6773,6774,6775,6776,6777,6778,6779	
,6780	36198	SVIL; スペルビリン
202566_s_at	6781,6782,6783,6784,6785,6786,6787,6788,6789,6790	
,6791	36199	SVIL; スペルビリン
202577_s_at	6792,6793,6794,6795,6796,6797,6798,6799,6800,6801	
,6802	36200	FLJ11126; FLJ11126 タンパク質
202578_s_at	6803,6804,6805,6806,6807,6808,6809,6810,6811,6812	
,6813	36201	FLJ11126; FLJ11126 タンパク質
202579_x_at	6814,6815,6816,6817,6818,6819,6820,6821,6822,6823	
,6824	36202	HMGN4; 高運動性群 ヌクレオソー
ム結合ドメイン 4		
202583_s_at	6825,6826,6827,6828,6829,6830,6831,6832,6833,6834	
,6835	36203	RANBP9; RAN 結合タンパク質 9
202587_s_at	6836,6837,6838,6839,6840,6841,6842,6843,6844,6845	
,6846	36204	AK1; アデニル酸キナーゼ 1
202591_s_at	6847,6848,6849,6850,6851,6852,6853,6854,6855,6856	
,6857	36205	SSBP1; 一本鎖DNA 結合タンパク
質 1		
202593_s_at	6858,6859,6860,6861,6862,6863,6864,6865,6866,6867	
,6868	36206	MIR16; RGS16の膜相互作用 タン
パク質		
202594_at	6869,6870,6871,6872,6873,6874,6875,6876,6877,6878,6	
879	36207	LEPROTL1; レプチン レセプター 重
複転写物様 1		
202597_at	6880,6881,6882,6883,6884,6885,6886,6887,6888,6889,6	
890	36208	IRF6; インターフェロン 調節性因
子 6		
202598_at	6891,6892,6893,6894,6895,6896,6897,6898,6899,6900,6	
901	36209	S100A13; S100 カルシウム結合プロ
テインA13		
202599_s_at	6902,6903,6904,6905,6906,6907,6908,6909,6910,6911	
,6912	36210	NRIP1; 核レセプター 相互作用
タンパク質 1		
202605_at	6913,6914,6915,6916,6917,6918,6919,6920,6921,6922,6	
923	36211	GUSB; グルクロニダーゼ, β

202606_s_at	6924,6925,6926,6927,6928,6929,6930,6931,6932,6933
,6934	36212 TLK1; タウスル様 キナーゼ 1
202609_at	6935,6936,6937,6938,6939,6940,6941,6942,6943,6944,6
945	36213 EPS8; 表皮 成長因子 レセプター
経路基質 8	
202613_at	6946,6947,6948,6949,6950,6951,6952,6953,6954,6955,6
956	36214 CTPS; CTP シンターゼ
202632_at	6957,6958,6959,6960,6961,6962,6963,6964,6965,6966,6
967	36215 OVCA2 /// DPH2L1; 卵巣癌2におけ
る候補腫瘍抑制因子;DPH2様 1 (S. cerevisiae)	
202637_s_at	6968,6969,6970,6971,6972,6973,6974,6975,6976,6977
,6978	36216 ICAM1; 細胞間接着分子 1 (CD54)
, ヒトライノウイルスレセプター	
202646_s_at	6979,6980,6981,6982,6983,6984,6985,6986,6987,6988
,6989	36217 NRAS; 神経芽細胞腫 RASウイルス
(v-ras)オンコジーンホモログ	
202652_at	6990,6991,6992,6993,6994,6995,6996,6997,6998,6999,7
000	36218 APBB1; アミロイド β (A4) 前駆タ
ンパク質結合,ファミリーB, メンバー1 (Fe65)	
202655_at	7001,7002,7003,7004,7005,7006,7007,7008,7009,7010,7
011	36219 ARMET; アルギニンリッチ, 初期腫
瘍で変異された	
202670_at	7012,7013,7014,7015,7016,7017,7018,7019,7020,7021,7
022	36220 MAP2K1; マイトジェン活性化 タン
パク質 キナーゼ キナーゼ 1	
202671_s_at	7023,7024,7025,7026,7027,7028,7029,7030,7031,7032
,7033	36221 PDXK; ピリドキサル (ピリドキシ
ビタミン B6) キナーゼ	
202676_x_at	7034,7035,7036,7037,7038,7039,7040,7041,7042,7043
,7044	36222 FASTK; FAST キナーゼ
202685_s_at	7045,7046,7047,7048,7049,7050,7051,7052,7053,7054
,7055	36223 AXL; AXL レセプター チロシン
キナーゼ	
202686_s_at	7056,7057,7058,7059,7060,7061,7062,7063,7064,7065
,7066	36224 AXL; AXL レセプター チロシン
キナーゼ	
202688_at	7067,7068,7069,7070,7071,7072,7073,7074,7075,7076,7
077	36225 TNFSF10; 腫瘍 壊死因子 (リガンド
) スーパーファミリー, メンバー10	
202697_at	7078,7079,7080,7081,7082,7083,7084,7085,7086,7087,7
088	36226 CPSF5; 切断およびポリアデニル化
特定因子5, 25kDa	
202708_s_at	7089,7090,7091,7092,7093,7094,7095,7096,7097,7098
,7099	36227 HIST2H2BE; ヒストン 2, H2be
202718_at	7100,7101,7102,7103,7104,7105,7106,7107,7108,7109,7
110	36228 IGFBP2; インスリン様 成長因子 結
合タンパク質 2,36kDa	
202719_s_at	7111,7112,7113,7114,7115,7116,7117,7118,7119,7120
,7121	36229 TES; 精巣由来転写物 (3 LIMドメ
イン)	

202721_s_at	7122,7123,7124,7125,7126,7127,7128,7129,7130,7131	
,7132	36230	GFPT1; グルタミン-フルクトース
-6-ホスフェート トランスアミナーゼ1		
202722_s_at	7133,7134,7135,7136,7137,7138,7139,7140,7141,7142	
,7143	36231	GFPT1; グルタミン-フルクトース
-6-ホスフェート トランスアミナーゼ1		
202728_s_at	7144,7145,7146,7147,7148,7149,7150,7151,7152,7153	
,7154	36232	LTBP1; 潜在的形質転換 成長因子
β 結合タンパク質1		
202729_s_at	7155,7156,7157,7158,7159,7160,7161,7162,7163,7164	
,7165	36233	LTBP1; 潜在的形質転換 成長因子
β 結合タンパク質1		
202732_at	7166,7167,7168,7169,7170,7171,7172,7173,7174,7175,7	
176	36234	PKIG; タンパク質 キナーゼ (cAMP
依存性, 触媒性) インヒビター γ		
202734_at	7177,7178,7179,7180,7181,7182,7183,7184,7185,7186,7	
187	36235	TRIP10; 甲状腺ホルモン レセプタ
ー インタラクター10		
202736_s_at	7188,7189,7190,7191,7192,7193,7194,7195,7196,7197	
,7198	36236	LSM4; LSM4 ホモログ, U6 小型核
RNA関連 (S.cerevisiae)		
202737_s_at	7199,7200,7201,7202,7203,7204,7205,7206,7207,7208	
,7209	36237	LSM4; LSM4 ホモログ, U6 小型核
RNA関連 (S.cerevisiae)		
202738_s_at	7210,7211,7212,7213,7214,7215,7216,7217,7218,7219	
,7220	36238	PHKB; ホスホリラーゼ キナーゼ,
β		
202740_at	7221,7222,7223,7224,7225,7226,7227,7228,7229,7230,7	
231	36239	ACY1; アミノアシラーゼ 1
202741_at	7232,7233,7234,7235,7236,7237,7238,7239,7240,7241,7	
242	36240	PRKACB; タンパク質 キナーゼ, cAM
P依存性, 触媒性, β		
202742_s_at	7243,7244,7245,7246,7247,7248,7249,7250,7251,7252	
,7253	36241	PRKACB; タンパク質 キナーゼ, c
AMP依存性, 触媒性, β		
202748_at	7254,7255,7256,7257,7258,7259,7260,7261,7262,7263,7	
264	36242	GBP2; グアニル酸 結合タンパク質
2, インターフェロン誘導性		
202758_s_at	7265,7266,7267,7268,7269,7270,7271,7272,7273,7274	
,7275	36243	RFXANK; 調節性因子 X関連 アン
キリン含有 タンパク質		
202759_s_at	7276,7277,7278,7279,7280,7281,7282,7283,7284,7285	
,7286	36244	PALM2-AKAP2; PALM2-AKAP2 タン
パク質		
202760_s_at	7287,7288,7289,7290,7291,7292,7293,7294,7295,7296	
,7297	36245	PALM2-AKAP2; PALM2-AKAP2 タン
パク質		
202762_at	7298,7299,7300,7301,7302,7303,7304,7305,7306,7307,7	
308	36246	ROCK2; Rho関連, コイルドコイル含
有タンパク質 キナーゼ 2		

202765_s_at	7309,7310,7311,7312,7313,7314,7315,7316,7317,7318
,7319	36247 FBN1; フィブリリン 1 (Marfan症候群)
202766_s_at	7320,7321,7322,7323,7324,7325,7326,7327,7328,7329
,7330	36248 FBN1; フィブリリン 1 (Marfan症候群)
202769_at	7331,7332,7333,7334,7335,7336,7337,7338,7339,7340,7
341	36249 CCNG2; サイクリン G2
202770_s_at	7342,7343,7344,7345,7346,7347,7348,7349,7350,7351
,7352	36250 CCNG2; サイクリン G2
202779_s_at	7353,7354,7355,7356,7357,7358,7359,7360,7361,7362
,7363	36251 UBE2S; ユビキチン-結合酵素 E2S
202784_s_at	7364,7365,7366,7367,7368,7369,7370,7371,7372,7373
,7374	36252 NNT; ニコチンアミド ヌクレオチド トランスヒドロゲナーゼ
202786_at	7375,7376,7377,7378,7379,7380,7381,7382,7383,7384,7
385	36253 STK39; セリンスレオニンキナーゼ
39 (STE20/SPS1 ホモログ, 酵母)	
202787_s_at	7386,7387,7388,7389,7390,7391,7392,7393,7394,7395
,7396	36254 MAPKAPK3; マイトジェン活性化タンパク質 キナーゼ活性化 タンパク質 キナーゼ 3
202788_at	7397,7398,7399,7400,7401,7402,7403,7404,7405,7406,7
407	36255 MAPKAPK3; マイトジェン活性化 タンパク質 キナーゼ活性化 タンパク質 キナーゼ 3
202789_at	7408,7409,7410,7411,7412,7413,7414,7415,7416,7417,7
418	36256 PLCG1; ホスホリパーゼ C, γ 1
202790_at	7419,7420,7421,7422,7423,7424,7425,7426,7427,7428,7
429	36257 CLDN7; クラウディン 7
202794_at	7430,7431,7432,7433,7434,7435,7436,7437,7438,7439,7
440	36258 INPP1; イノシトール ポリホスフェート-1-ホスファターゼ
202795_x_at	7441,7442,7443,7444,7445,7446,7447,7448,7449,7450
,7451	36259 HRIHFB2122;Tara様 タンパク質
202796_at	7452,7453,7454,7455,7456,7457,7458,7459,7460,7461,7
462	36260 SYNPO; シナプトポジン
202799_at	7463,7464,7465,7466,7467,7468,7469,7470,7471,7472,7
473	36261 CLPP; ClpP カゼイン分解性 プロテアーゼ, ATP依存性, タンパク質分解性サブユニット ホモログ (E. coli)
202802_at	7474,7475,7476,7477,7478,7479,7480,7481,7482,7483,7
484	36262 DHPS; デオキシヒプシンシンターゼ
202806_at	7485,7486,7487,7488,7489,7490,7491,7492,7493,7494,7
495	36263 DBN1; ドレブリン 1
202808_at	7496,7497,7498,7499,7500,7501,7502,7503,7504,7505,7
506	36264 C10orf26; 染色体 10 オープンリーディングフレーム26
202812_at	7507,7508,7509,7510,7511,7512,7513,7514,7515,7516,7
517	36265 GAA; グルコシダーゼ, α ; 酸(Pompe病, グリコーゲン貯蔵症II型)
202825_at	7518,7519,7520,7521,7522,7523,7524,7525,7526,7527,7
528	36266 SLC25A4; 溶質キャリアファミリー

25 (ミトコンドリアキャリア; アデニンヌクレオチド 輸送体), メンバー4		
202828_s_at	7529,7530,7531,7532,7533,7534,7535,7536,7537,7538	
,7539	36267	MMP14; マトリックスメタロプロ
テイナーゼ 14(膜挿入)		
202836_s_at	7540,7541,7542,7543,7544,7545,7546,7547,7548,7549	
,7550	36268	TXNL4A; チオレドキシン様 4A
202838_at	7551,7552,7553,7554,7555,7556,7557,7558,7559,7560,7	
561	36269	FUCA1; フルコシダーゼ, α -L- 1,
組織		
202839_s_at	7562,7563,7564,7565,7566,7567,7568,7569,7570,7571	
,7572	36270	NDUFB7; NADH デヒドロゲナーゼ
(ユビキノン) 1 β 小成分,7, 18kDa		
202857_at	7573,7574,7575,7576,7577,7578,7579,7580,7581,7582,7	
583	36271	TMEM4; 膜貫通 タンパク質 4
202868_s_at	7584,7585,7586,7587,7588,7589,7590,7591,7592,7593	
,7594	36272	POP4; 前駆体 4のプロセッシング,
リボヌクレアーゼP/MRP サブユニット (S. cerevisiae)		
202871_at	7595,7596,7597,7598,7599,7600,7601,7602,7603,7604,7	
605	36273	TRAF4; TNF レセプター関連因子 4
202884_s_at	7606,7607,7608,7609,7610,7611,7612,7613,7614,7615	
,7616	36274	PPP2R1B; タンパク質 ホスファタ
ーゼ 2 (以前は2A), 調節性 サブユニット A (PR 65), β アイソフォーム		
202886_s_at	7617,7618,7619,7620,7621,7622,7623,7624,7625,7626	
,7627	36275	PPP2R1B; タンパク質 ホスファタ
ーゼ 2 (以前は2A), 調節性 サブユニット A (PR 65), β アイソフォーム		
202889_x_at	7628,7629,7630,7631,7632,7633,7634,7635,7636,7637	
,7638	36276	MAP7; 微小管関連 タンパク質 7
202890_at	7639,7640,7641,7642,7643,7644,7645,7646,7647,7648,7	
649	36277	MAP7; 微小管関連 タンパク質 7
202893_at	7650,7651,7652,7653,7654,7655,7656,7657,7658,7659,7	
660	36278	UNC13B; unc-13 ホモログ B (C. el
egans)		
202898_at	7661,7662,7663,7664,7665,7666,7667,7668,7669,7670,7	
671	36279	SDC3; シンデカン 3 (N-シンデカン
)		
202899_s_at	7672,7673,7674,7675,7676,7677,7678,7679,7680,7681	
,7682	36280	SFRS3; スプライシング因子, ア
ルギニン/セリンリッチ3		
202906_s_at	7683,7684,7685,7686,7687,7688,7689,7690,7691,7692	
,7693	36281	NBS1; Nijmegen破損症候群 1 (ニ
ブリン)		
202908_at	7694,7695,7696,7697,7698,7699,7700,7701,7702,7703,7	
704	36282	WFS1; Wolfram症候群 1 (ウォルフ
ラミン)		
202915_s_at	7705,7706,7707,7708,7709,7710,7711,7712,7713,7714	
,7715	36283	FAM20B; 配列類似性を有するファ
ミリー20, メンバーB		
202916_s_at	7716,7717,7718,7719,7720,7721,7722,7723,7724,7725	
,7726	36284	FAM20B; 配列類似性を有するファ
ミリー 20, メンバーB		

202920_at	7727,7728,7729,7730,7731,7732,7733,7734,7735,7736,7
737	36285 ANK2; アンキリン 2, ニューロン
202921_s_at	7738,7739,7740,7741,7742,7743,7744,7745,7746,7747
,7748	36286 ANK2; アンキリン 2, ニューロン
202927_at	7749,7750,7751,7752,7753,7754,7755,7756,7757,7758,7
759	36287 PIN1; タンパク質 (ペプチジル-プ
ロリル シス/トランスイソメラーゼ) NIMA-相互作用 1	
202929_s_at	7760,7761,7762,7763,7764,7765,7766,7767,7768,7769
,7770	36288 DDT; D-ドーパクロムタウトメラ
ーゼ	
202931_x_at	7771,7772,7773,7774,7775,7776,7777,7778,7779,7780
,7781	36289 BIN1; 結合インテグレーター 1
202935_s_at	7782,7783,7784,7785,7786,7787,7788,7789,7790,7791
,7792	36290 SOX9; SRY (性決定領域Y)ボックス
ス 9 (屈曲肢異形成,常染色体性逆転)	
202936_s_at	7793,7794,7795,7796,7797,7798,7799,7800,7801,7802
,7803	36291 SOX9; SRY (性決定領域Y)ボックス
ス 9 (屈曲肢異形成,常染色体性逆転)	
202941_at	7804,7805,7806,7807,7808,7809,7810,7811,7812,7813,7
814	36292 NDUFV2; NADH デヒドロゲナーゼ (
ユビキノン) フラビンタンパク質2, 24kDa	
202942_at	7815,7816,7817,7818,7819,7820,7821,7822,7823,7824,7
825	36293 ETFB; 電子伝達-フラビンタンパク
質, β ポリペプチド	
202946_s_at	7826,7827,7828,7829,7830,7831,7832,7833,7834,7835
,7836	36294 BTBD3; BTB (POZ)ドメイン含有3
202947_s_at	7837,7838,7839,7840,7841,7842,7843,7844,7845,7846
,7847	36295 GYPC; グリコホリン C (Gerbich
blood group)	
202948_at	7848,7849,7850,7851,7852,7853,7854,7855,7856,7857,7
858	36296 IL1R1; インターロイキン 1 レセプ
ター, I型	
202949_s_at	7859,7860,7861,7862,7863,7864,7865,7866,7867,7868
,7869	36297 FHL2; fourおよびa half LIMドメ
インス 2	
202953_at	7870,7871,7872,7873,7874,7875,7876,7877,7878,7879,7
880	36298 CIQB; 補体成分 1, q 小成分, β ポ
リペプチド	
202964_s_at	7881,7882,7883,7884,7885,7886,7887,7888,7889,7890
,7891	36299 RFX5; 調節性因子 X, 5 (インフ
ルエンス HLA クラスII発現)	
202978_s_at	7892,7893,7894,7895,7896,7897,7898,7899,7900,7901
,7902	36300 ZF; HCF結合 転写因子 Zhangfei
202982_s_at	7903,7904,7905,7906,7907,7908,7909,7910,7911,7912
,7913	36301 ZAP128; ペルオキシソーム長鎖
アシル-coA チオエステラーゼ	
202992_at	7914,7915,7916,7917,7918,7919,7920,7921,7922,7923,7
924	36302 C7; 補体成分 7
202993_at	7925,7926,7927,7928,7929,7930,7931,7932,7933,7934,7
935	36303 ILVBL; ilvB (細菌性 アセト乳酸シ

ンターゼ)様		
202994_s_at	7936,7937,7938,7939,7940,7941,7942,7943,7944,7945	
,7946	36304	FBLN1; フィブリン 1
202995_s_at	7947,7948,7949,7950,7951,7952,7953,7954,7955,7956	
,7957	36305	FBLN1; フィブリン 1
202996_at	7958,7959,7960,7961,7962,7963,7964,7965,7966,7967,7	
968	36306	POLD4; ポリメラーゼ (DNA指向性),
8 4		
203007_x_at	7969,7970,7971,7972,7973,7974,7975,7976,7977,7978	
,7979	36307	LYPLA1; リゾホスホリパーゼ I
203011_at	7980,7981,7982,7983,7984,7985,7986,7987,7988,7989,7	
990	36308	IMPA1; イノシトール(myo)-1(また
は4)-モノホスファターゼ1		
203013_at	7991,7992,7993,7994,7995,7996,7997,7998,7999,8000,8	
001	36309	HSGT1; S. cerevisiae gcr2のサブ
レッサ		
203016_s_at	8002,8003,8004,8005,8006,8007,8008,8009,8010,8011	
,8012	36310	SSX2IP; 滑膜肉腫, X ブレークポ
イント 2 相互作用タンパク質		
203017_s_at	8013,8014,8015,8016,8017,8018,8019,8020,8021,8022	
,8023	36311	SSX2IP; 滑膜肉腫, X ブレークポ
イント 2 相互作用タンパク質		
203024_s_at	8024,8025,8026,8027,8028,8029,8030,8031,8032,8033	
,8034	36312	C5orf15; 染色体 5 オープンリー
ディングフレーム15		
203025_at	8035,8036,8037,8038,8039,8040,8041,8042,8043,8044,8	
045	36313	ARD1; ARD1 ホモログ, N-アセチル
トランスフェラーゼ(S. cerevisiae)		
203030_s_at	8046,8047,8048,8049,8050,8051,8052,8053,8054,8055	
,8056	36314	PTPRN2; タンパク質 チロシン ホ
スファターゼ, レセプター型, N ポリペプチド 2		
203031_s_at	8057,8058,8059,8060,8061,8062,8063,8064,8065,8066	
,8067	36315	UROS; ウロポルフィリノーゲン I
II シンターゼ (先天性造血性ポルフィリン症)		
203033_x_at	8068,8069,8070,8071,8072,8073,8074,8075,8076,8077	
,8078	36316	FH; フマル酸ヒドラターゼ
203034_s_at	8079,8080,8081,8082,8083,8084,8085,8086,8087,8088	
,8089	36317	RPL27A; リボソームタンパク質 L
27a		
203037_s_at	8090,8091,8092,8093,8094,8095,8096,8097,8098,8099	
,8100	36318	MTSS1; 転移抑制因子 1
203038_at	8101,8102,8103,8104,8105,8106,8107,8108,8109,8110,8	
111	36319	PTPRK; タンパク質 チロシン ホス
ファターゼ, レセプター-type, K		
203039_s_at	8112,8113,8114,8115,8116,8117,8118,8119,8120,8121	
,8122	36320	NDUFS1; NADH デヒドロゲナーゼ
(ユビキノン) Fe-S タンパク質1, 75kDa (NADH-補酵素 Q レダクターゼ)		
203041_s_at	8123,8124,8125,8126,8127,8128,8129,8130,8131,8132	
,8133	36321	LAMP2; リソソーム関連 膜タンパ
ク質 2		

203042_at	8134,8135,8136,8137,8138,8139,8140,8141,8142,8143,8144	36322	LAMP2; リソソーム関連 膜タンパク質 2
203043_at	8145,8146,8147,8148,8149,8150,8151,8152,8153,8154,8155	36323,36324	ZBED1; ジンクフィンガー, B
EDドメイン含有1			
203060_s_at	8156,8157,8158,8159,8160,8161,8162,8163,8164,8165,8166	36325	PAPSS2; 3'-ホスホアデノシン 5'-ホスホ硫酸シンターゼ 2
203063_at	8167,8168,8169,8170,8171,8172,8173,8174,8175,8176,8177	36326	PPM1F; タンパク質 ホスファターゼ 1F (PP2Cドメイン含有)
203065_s_at	8178,8179,8180,8181,8182,8183,8184,8185,8186,8187,8188	36327	CAV1; カベオリン 1, カベオラタンパク質, 22kDa
203066_at	8189,8190,8191,8192,8193,8194,8195,8196,8197,8198,8199	36328	GALNAC4S-6ST; B cell RAG関連 タンパク質
203068_at	8200,8201,8202,8203,8204,8205,8206,8207,8208,8209,8210	36329	KIAA0469; KIAA0469 遺伝子産物
203076_s_at	8211,8212,8213,8214,8215,8216,8217,8218,8219,8220,8221	36330	SMAD2; SMAD, mothers against D
PP ホモログ 2(Drosophila)			
203088_at	8222,8223,8224,8225,8226,8227,8228,8229,8230,8231,8232	36331	FBLN5; フィブリン 5
203089_s_at	8233,8234,8235,8236,8237,8238,8239,8240,8241,8242,8243	36332	PRSS25; プロテアーゼ, セリン, 25
203093_s_at	8244,8245,8246,8247,8248,8249,8250,8251,8252,8253,8254	36333	TIMM44; ミトコンドリア内膜 44
ホモログの転位酵素 (酵母)			
203099_s_at	8255,8256,8257,8258,8259,8260,8261,8262,8263,8264,8265	36334	CDYL; 染色領域タンパク質, Y様
203103_s_at	8266,8267,8268,8269,8270,8271,8272,8273,8274,8275,8276	36335	PRP19; PRP19/PS04 ホモログ (S. cerevisiae)
203105_s_at	8277,8278,8279,8280,8281,8282,8283,8284,8285,8286,8287	36336	DNM1L; ダイナミン 1様
203109_at	8288,8289,8290,8291,8292,8293,8294,8295,8296,8297,8298	36337	UBE2M; ユビキチン-結合酵素 E2M (UBC12 ホモログ, 酵母)
203123_s_at	8299,8300,8301,8302,8303,8304,8305,8306,8307,8308,8309	36338	SLC11A2; 溶質キャリアファミリ
ー 11 (プロトン結合二価金属イオントランスポーター), メンバー2			
203124_s_at	8310,8311,8312,8313,8314,8315,8316,8317,8318,8319,8320	36339	SLC11A2; 溶質キャリアファミリ
ー 11 (プロトン結合二価金属イオントランスポーター), メンバー2			
203126_at	8321,8322,8323,8324,8325,8326,8327,8328,8329,8330,8331	36340	IMPA2; イノシトール(myo)-1(または4)-モノホスファターゼ2

203131_at	8332,8333,8334,8335,8336,8337,8338,8339,8340,8341,8
342	36341 PDGFRA; 血小板由来 成長因子 レセ
プター, α ポリペプチド	
203133_at	8343,8344,8345,8346,8347,8348,8349,8350,8351,8352,8
353	36342 SEC61B; Sec61 β サブユニット
203136_at	8354,8355,8356,8357,8358,8359,8360,8361,8362,8363,8
364	36343 RABAC1; Rabアクセプター 1 (プレ
ニル化)	
203138_at	8365,8366,8367,8368,8369,8370,8371,8372,8373,8374,8
375	36344 HAT1; ヒストン アセチルトランス
フェラーゼ 1	
203139_at	8376,8377,8378,8379,8380,8381,8382,8383,8384,8385,8
386	36345 DAPK1; 死に関連するタンパク質 キ
ナーゼ 1	
203140_at	8387,8388,8389,8390,8391,8392,8393,8394,8395,8396,8
397	36346 BCL6; B-cell CLL/リンパ腫 6 (ジ
ンクフィンガータンパク質 51)	
203143_s_at	8398,8399,8400,8401,8402,8403,8404,8405,8406,8407
,8408	36347 KIAA0040; KIAA0040 遺伝子産物
203148_s_at	8409,8410,8411,8412,8413,8414,8415,8416,8417,8418
,8419	36348 TRIM14; 3部のモチーフ含有 14
203150_at	8420,8421,8422,8423,8424,8425,8426,8427,8428,8429,8
430	36349 RAB9P40; Rab9 エフェクター p40
203151_at	8431,8432,8433,8434,8435,8436,8437,8438,8439,8440,8
441	36350 MAP1A; 微小管関連 タンパク質 1A
203156_at	8442,8443,8444,8445,8446,8447,8448,8449,8450,8451,8
452	36351 AKAP11; A キナーゼ (PRKA) アンカ
ー タンパク質11	
203164_at	8453,8454,8455,8456,8457,8458,8459,8460,8461,8462,8
463	36352 SLC33A1; 溶質キャリアファミリー
33 (アセチル-CoA トランスポーター), メンバー1	
203167_at	8464,8465,8466,8467,8468,8469,8470,8471,8472,8473,8
474	36353 TIMP2; メタロプロテイナーゼ 2の
組織インヒビター	
203174_s_at	8475,8476,8477,8478,8479,8480,8481,8482,8483,8484
,8485	36354 ARFRP1; ADPリボシル化因子関連
タンパク質 1	
203180_at	8486,8487,8488,8489,8490,8491,8492,8493,8494,8495,8
496	36355 ALDH1A3; アルデヒドデヒドロゲナ
ーゼ 1ファミリー, メンバーA3	
203185_at	8497,8498,8499,8500,8501,8502,8503,8504,8505,8506,8
507	36356 RASSF2; Ras 関連 (RalGDS/AF-6) ド
メインファミリー2	
203186_s_at	8508,8509,8510,8511,8512,8513,8514,8515,8516,8517
,8518	36357 S100A4; S100カルシウム結合プロ
テインA4 (カルシウムタンパク質, カルバスクリン, マタスタシン, マウス胎盤ホモログ	
)	
203189_s_at	8519,8520,8521,8522,8523,8524,8525,8526,8527,8528
,8529	36358 NDUFS8; NADH デヒドロゲナーゼ
(ユビキノン) Fe-S タンパク質8, 23kDa (NADH-補酵素 Q レダクターゼ)	

203190_at	8530,8531,8532,8533,8534,8535,8536,8537,8538,8539,8540	36359	NDUFS8; NADH デヒドロゲナーゼ (ユビキノン)Fe-S タンパク質 8, 23kDa (NADH-補酵素 Q レダクターゼ)
203192_at	8541,8542,8543,8544,8545,8546,8547,8548,8549,8550,8551	36360	ABCB6; ATP結合カセット, サブファミリー B(MDR/TAP), メンバー6
203196_at	8552,8553,8554,8555,8556,8557,8558,8559,8560,8561,8562	36361	ABCC4; ATP結合カセット, サブファミリー C(CFTR/MRP), メンバー4
203197_s_at	8563,8564,8565,8566,8567,8568,8569,8570,8571,8572,8573	36362	FLJ20580; 仮想タンパク質 FLJ20580
203201_at	8574,8575,8576,8577,8578,8579,8580,8581,8582,8583,8584	36363	PMM2; ホスホマンノムターゼ 2
203207_s_at	8585,8586,8587,8588,8589,8590,8591,8592,8593,8594,8595	36364	CHPPR; ポリプロリン領域を含むトリ軟骨細胞タンパク質のオルソログと同様
203208_s_at	8596,8597,8598,8599,8600,8601,8602,8603,8604,8605,8606	36365	CHPPR; ポリプロリン領域を含むトリ軟骨細胞タンパク質のオルソログと同様
203216_s_at	8607,8608,8609,8610,8611,8612,8613,8614,8615,8616,8617	36366	MYO6; ミオシン VI
203218_at	8618,8619,8620,8621,8622,8623,8624,8625,8626,8627,8628	36367	MAPK9; マイトジェン活性化 タンパク質 キナーゼ 9
203219_s_at	8629,8630,8631,8632,8633,8634,8635,8636,8637,8638,8639	36368	APRT; アデニンホスホリボシルトランスフェラーゼ
203228_at	8640,8641,8642,8643,8644,8645,8646,8647,8648,8649,8650	36369	PAFAH1B3; 血小板活性化因子 アセチルヒドロラーゼ,アイソフォーム Ib, γ サブユニット 29kDa
203233_at	8651,8652,8653,8654,8655,8656,8657,8658,8659,8660,8661	36370	IL4R; インターロイキン 4 レセプター
203241_at	8662,8663,8664,8665,8666,8667,8668,8669,8670,8671,8672	36371	UVRAG; UV照射抵抗性関連遺伝子
203242_s_at	8673,8674,8675,8676,8677,8678,8679,8680,8681,8682,8683	36372	LIM; LIM タンパク質 (ラットタンパク質キナーゼC結合 エニグマに類似)
203243_s_at	8684,8685,8686,8687,8688,8689,8690,8691,8692,8693,8694	36373	LIM; LIM タンパク質 (ラットタンパク質キナーゼC結合 エニグマに類似)
203249_at	8695,8696,8697,8698,8699,8700,8701,8702,8703,8704,8705	36374	EZH1; ゼステホモログ 1エンハンサー (Drosophila)
203256_at	8706,8707,8708,8709,8710,8711,8712,8713,8714,8715,8716	36375	CDH3; カドヘリン 3, 1型, P-カドヘリン (胎盤)
203264_s_at	8717,8718,8719,8720,8721,8722,8723,8724,8725,8726,8727	36376	ARHGEF9; Cdc42 グアニンヌクレ

オチド 交換因子 (GEF) 9

203272_s_at	8728,8729,8730,8731,8732,8733,8734,8735,8736,8737
,8738	36377 TUSC2; 腫瘍抑制因子候補 2
203284_s_at	8739,8740,8741,8742,8743,8744,8745,8746,8747,8748
,8749	36378 HS2ST1; ヘパラン硫酸 2-O-スル
ホトランスフェラーゼ 1	
203287_at	8750,8751,8752,8753,8754,8755,8756,8757,8758,8759,8
760	36379 LAD1; ラディニン 1
203293_s_at	8761,8762,8763,8764,8765,8766,8767,8768,8769,8770
,8771	36380 LMAN1; レクチン, マンノース結
合, 1	
203296_s_at	8772,8773,8774,8775,8776,8777,8778,8779,8780,8781
,8782	36381 ATP1A2; ATPase, Na ⁺ /K ⁺ 輸送,
α 2 (+) ポリペプチド	
203300_x_at	8783,8784,8785,8786,8787,8788,8789,8790,8791,8792
,8793	36382 AP1S2; アダプター関連 タンパク
質複合体 1, σ 2 サブユニット	
203303_at	8794,8795,8796,8797,8798,8799,8800,8801,8802,8803,8
804	36383 TCTE1L; t-複合体関連-精巣発現 1
様	
203304_at	8805,8806,8807,8808,8809,8810,8811,8812,8813,8814,8
815	36384 BAMBI; BMPおよびアクチビン膜結合
インヒビター ホモログ (アフリカツメガエル)	
203311_s_at	8816,8817,8818,8819,8820,8821,8822,8823,8824,8825
,8826	36385 ARF6; ADPリボシル化因子 6
203313_s_at	8827,8828,8829,8830,8831,8832,8833,8834,8835,8836
,8837	36386 TGIF; TGFB誘導性因子 (TALEファ
ミリー ホメオボックス)	
203320_at	8838,8839,8840,8841,8842,8843,8844,8845,8846,8847,8
848	36387 LNK; リンパ球 アダプター タンパ
ク質	
203323_at	8849,8850,8851,8852,8853,8854,8855,8856,8857,8858,8
859	36388 CAV2; カベロリン 2
203324_s_at	8860,8861,8862,8863,8864,8865,8866,8867,8868,8869
,8870	36389 CAV2; カベロリン 2
203325_s_at	8871,8872,8873,8874,8875,8876,8877,8878,8879,8880
,8881	36390 COL5A1; コラーゲン, V型, α 1
203339_at	8882,8883,8884,8885,8886,8887,8888,8889,8890,8891,8
892	36391 SLC25A12; 溶質キャリアファミリー
25 (ミトコンドリアキャリア, Aralar), メンバー 12	
203342_at	8893,8894,8895,8896,8897,8898,8899,8900,8901,8902,8
903	36392 TIMM17B; ミトコンドリア内膜 17
ホモログ Bの転位酵素 (酵母)	
203351_s_at	8904,8905,8906,8907,8908,8909,8910,8911,8912,8913
,8914	36393 ORC4L; 起点認識複合体, サブユ
ニット 4様 (酵母)	
203357_s_at	8915,8916,8917,8918,8919,8920,8921,8922,8923,8924
,8925	36394 CAPN7; カルパイン 7
203360_s_at	8926,8927,8928,8929,8930,8931,8932,8933,8934,8935
,8936	36395 MYCBP; c-myc 結合タンパク質

203369_x_at ,8947 (エニグマ)	8937,8938,8939,8940,8941,8942,8943,8944,8945,8946 36396	PDLIM7; PDZおよびLIMドメイン 7
203370_s_at ,8958 (エニグマ)	8948,8949,8950,8951,8952,8953,8954,8955,8956,8957 36397	PDLIM7; PDZおよびLIMドメイン 7
203372_s_at ,8969 達 2のサブレッサ	8959,8960,8961,8962,8963,8964,8965,8966,8967,8968 36398	SOCS2; サイトカインシグナル伝
203373_at 980 2のサブレッサ	8970,8971,8972,8973,8974,8975,8976,8977,8978,8979,8 36399	SOCS2; サイトカインシグナル伝達
203381_s_at ,8991	8981,8982,8983,8984,8985,8986,8987,8988,8989,8990 36400	APOE; アポリポタンパク質 E
203382_s_at ,9002	8992,8993,8994,8995,8996,8997,8998,8999,9000,9001 36401	APOE; apoリポタンパク質 E
203397_s_at ,9013 ラクトサミン:ポリペプチドN-アセチルガラクトサミニルトランスフェラーゼ 3 (GalNAc-T3)	9003,9004,9005,9006,9007,9008,9009,9010,9011,9012 36402	GALNT3; UDP-N-アセチル- α -D-ガ
203404_at 024 X結合 2	9014,9015,9016,9017,9018,9019,9020,9021,9022,9023,9 36403	ARMCX2; アルマジロ繰り返し含有,
203408_s_at ,9035 タンパク質 1 (核マトリックス/骨格結合 DNAに結合)	9025,9026,9027,9028,9029,9030,9031,9032,9033,9034 36404	SATB1; 特定のATリッチ配列結合
203411_s_at ,9046	9036,9037,9038,9039,9040,9041,9042,9043,9044,9045 36405	LMNA; ラミン A/C
203413_at 057	9047,9048,9049,9050,9051,9052,9053,9054,9055,9056,9 36406	NELL2; NEL様 2 (トリ)
203414_at 068 連	9058,9059,9060,9061,9062,9063,9064,9065,9066,9067,9 36407	MMD; 単球to マクロファージ分化関
203415_at 079	9069,9070,9071,9072,9073,9074,9075,9076,9077,9078,9 36408	PDCD6; プログラム細胞死 6
203417_at 090 パク質 2	9080,9081,9082,9083,9084,9085,9086,9087,9088,9089,9 36409	MFAP2; ミクロフィブリル関連 タン
203420_at 101 ミリー, メンバーA1	9091,9092,9093,9094,9095,9096,9097,9098,9099,9100,9 36410	FAM8A1; 配列類似性 8を有するファ
203423_at 112 , 細胞	9102,9103,9104,9105,9106,9107,9108,9109,9110,9111,9 36411	RBP1; レチノール結合タンパク質 1
203430_at 123	9113,9114,9115,9116,9117,9118,9119,9120,9121,9122,9 36412	HEBP2; ヘム 結合タンパク質 2
203434_s_at ,9134 ゼ (中性エンドペプチダーゼ,エンケファリナーゼ, CALLA, CD10)	9124,9125,9126,9127,9128,9129,9130,9131,9132,9133 36413	MME; 膜メタロエンドペプチダー
203435_s_at	9135,9136,9137,9138,9139,9140,9141,9142,9143,9144	

,9145	36414	MME; 膜メタロエンドペプチダーゼ (中性エンドペプチダーゼ, エンケファリナーゼ, CALLA, CD10)
203437_at	9146,9147,9148,9149,9150,9151,9152,9153,9154,9155,9156	C17orf35; 染色体 17 オープンリーディングフレーム 35
203449_s_at	9157,9158,9159,9160,9161,9162,9163,9164,9165,9166,9167	36416 TERF1; テロメア反復 結合因子 (NIMA-相互作用) 1
203453_at	9168,9169,9170,9171,9172,9173,9174,9175,9176,9177,9178	36417 SCNN1A; ナトリウムチャネル, 非電位作動型 1 α
203455_s_at	9179,9180,9181,9182,9183,9184,9185,9186,9187,9188,9189	36418 SAT; スペルミジン/スペルミン N1-アセチルトランスフェラーゼ
203456_at	9190,9191,9192,9193,9194,9195,9196,9197,9198,9199,9200	36419 PRAF2; PRA1ドメインファミリー 2
203478_at	9201,9202,9203,9204,9205,9206,9207,9208,9209,9210,9211	36420 NDUFC1; NADH デヒドロゲナーゼ (ユビキノン) 1, 小複合体 未知, 1, 6kDa
203498_at	9212,9213,9214,9215,9216,9217,9218,9219,9220,9221,9222	36421 DSCR1L1; Down症候群 臨界領域遺伝子 1様 1
203509_at	9223,9224,9225,9226,9227,9228,9229,9230,9231,9232,9233	36422 SORL1; ソーティリン関連 レセプター, L(DLRクラス)A 繰り返し含有
203511_s_at	9234,9235,9236,9237,9238,9239,9240,9241,9242,9243,9244	36423 TRAPPC3; 輸送タンパク質 粒子複合体 3
203514_at	9245,9246,9247,9248,9249,9250,9251,9252,9253,9254,9255	36424 MAP3K3; マイトジェン活性化 タンパク質 キナーゼ キナーゼ キナーゼ 3
203517_at	9256,9257,9258,9259,9260,9261,9262,9263,9264,9265,9266	36425 MTX2; メタキシシン 2
203524_s_at	9267,9268,9269,9270,9271,9272,9273,9274,9275,9276,9277	36426 MPST; メルカプト推定スルホトランスフェラーゼ
203542_s_at	9278,9279,9280,9281,9282,9283,9284,9285,9286,9287,9288	36427 BTEB1; 塩基性転写エレメント結合タンパク質 1
203557_s_at	9289,9290,9291,9292,9293,9294,9295,9296,9297,9298,9299	36428 PCBD; 肝細胞核因子 1 α (TCF1) の6-ピルボイル-テトラヒドロプテリンシンターゼ/二量化 補因子
203562_at	9300,9301,9302,9303,9304,9305,9306,9307,9308,9309,9310	36429 FEZ1; 束状化および伸長タンパク質 ζ 1 (ジギンI)
203566_s_at	9311,9312,9313,9314,9315,9316,9317,9318,9319,9320,9321	36430 AGL; アミロ-1, 6-グルコシダーゼ, 4- α -グルカノトランスフェラーゼ(グリコーゲン脱分枝酵素, グリコーゲン貯蔵症 III型)
203570_at	9322,9323,9324,9325,9326,9327,9328,9329,9330,9331,9332	

332	36431	LOXL1; リシル オキシダーゼ様 1
203571_s_at	9333, 9334, 9335, 9336, 9337, 9338, 9339, 9340, 9341, 9342	
, 9343	36432	C10orf116; 染色体 10 オープン
リーディングフレーム 116		
203573_s_at	9344, 9345, 9346, 9347, 9348, 9349, 9350, 9351, 9352, 9353	
, 9354	36433	RABGGTA; Rab ゲラニルゲラニル
トランスフェラーゼ, α サブユニット		
203576_at	9355, 9356, 9357, 9358, 9359, 9360, 9361, 9362, 9363, 9364, 9	
365	36434	BCAT2; 分枝鎖アミノトランスフェ
ラーゼ 2, ミトコンドリア		
203582_s_at	9366, 9367, 9368, 9369, 9370, 9371, 9372, 9373, 9374, 9375	
, 9376	36435	RAB4A; RAB4A, メンバーRAS オン
コジーンファミリー		
203585_at	9377, 9378, 9379, 9380, 9381, 9382, 9383, 9384, 9385, 9386, 9	
387	36436	ZNF185; ジンクフィンガータンパク
質 185(LIMドメイン)		
203586_s_at	9388, 9389, 9390, 9391, 9392, 9393, 9394, 9395, 9396, 9397	
, 9398	36437	ARF4L; ADPリボシル化因子 4様
203588_s_at	9399, 9400, 9401, 9402, 9403, 9404, 9405, 9406, 9407, 9408	
, 9409	36438	TFDP2; 転写因子 Dp-2 (E2F 二量
化パートナー 2)		
203592_s_at	9410, 9411, 9412, 9413, 9414, 9415, 9416, 9417, 9418, 9419	
, 9420	36439	FSTL3; フォリスタチン様 3 (分
泌糖タンパク質)		
203594_at	9421, 9422, 9423, 9424, 9425, 9426, 9427, 9428, 9429, 9430, 9	
431	36440	RTCD1; RNA 末端ホスフェートシク
ラーゼドメイン 1		
203606_at	9432, 9433, 9434, 9435, 9436, 9437, 9438, 9439, 9440, 9441, 9	
442	36441	NDUFS6; NADH デヒドロゲナーゼ (
ユビキノン)Fe-S タンパク質 6, 13kDa (NADH- 補酵素 Q レダクターゼ)		
203620_s_at	9443, 9444, 9445, 9446, 9447, 9448, 9449, 9450, 9451, 9452	
, 9453	36442	FCHSD2; FCHおよび二重SH3ドメイ
ン 2		
203632_s_at	9454, 9455, 9456, 9457, 9458, 9459, 9460, 9461, 9462, 9463	
, 9464	36443	GPRC5B; G タンパク質結合 レセ
プター, ファミリーC, 群5, メンバーB		
203636_at	9465, 9466, 9467, 9468, 9469, 9470, 9471, 9472, 9473, 9474, 9	
475	36444	MID1; 正中 1 (Opitz/BBB症候群)
203638_s_at	9476, 9477, 9478, 9479, 9480, 9481, 9482, 9483, 9484, 9485	
, 9486	36445	FGFR2; 線維芽細胞成長因子 レセ
プター 2 (細菌発現キナーゼ, ケラチノサイト 成長因子 レセプター, 頭蓋顔面骨形成不		
全 1, Crouzon症候群, Pfeiffer症候群, Jackson-Weiss症候群)		
203640_at	9487, 9488, 9489, 9490, 9491, 9492, 9493, 9494, 9495, 9496, 9	
497	36446	MBNL2; muscleblind様 2 (Drosophi
la)		
203641_s_at	9498, 9499, 9500, 9501, 9502, 9503, 9504, 9505, 9506, 9507	
, 9508	36447	COBLL1; COBL様 1
203646_at	9509, 9510, 9511, 9512, 9513, 9514, 9515, 9516, 9517, 9518, 9	
519	36448	FDX1; フェレドキシン 1
203647_s_at	9520, 9521, 9522, 9523, 9524, 9525, 9526, 9527, 9528, 9529	

,9530	36449	FDX1; フェレドキシン 1
203649_s_at	9531,9532,9533,9534,9535,9536,9537,9538,9539,9540	
,9541	36450	PLA2G2A; ホスホリパーゼ A2, II
A群 (血小板, 滑液)		
203661_s_at	9542,9543,9544,9545,9546,9547,9548,9549,9550,9551	
,9552	36451	TMOD1; トロポモジュリン 1
203662_s_at	9553,9554,9555,9556,9557,9558,9559,9560,9561,9562	
,9563	36452	TMOD1; トロポモジュリン 1
203663_s_at	9564,9565,9566,9567,9568,9569,9570,9571,9572,9573	
,9574	36453	COX5A; シトクロム c オキシダー
ゼ サブユニット Va		
203666_at	9575,9576,9577,9578,9579,9580,9581,9582,9583,9584,9	
585	36454	CXCL12; ケモカイン (C-X-Cモチーフ
)リガンド 12 (間質細胞由来因子1)		
203667_at	9586,9587,9588,9589,9590,9591,9592,9593,9594,9595,9	
596	36455	TBCA; チューブリン特異的シャペロ
ン a		
203676_at	9597,9598,9599,9600,9601,9602,9603,9604,9605,9606,9	
607	36456	GNS; グルコサミン (N-アセチル)-6
-スルファターゼ (Sanfilippo病 IIID)		
203680_at	9608,9609,9610,9611,9612,9613,9614,9615,9616,9617,9	
618	36457	PRKAR2B; タンパク質 キナーゼ, cA
MP依存性, 調節性, II型, β		
203686_at	9619,9620,9621,9622,9623,9624,9625,9626,9627,9628,9	
629	36458	MPG; N-メチルプリン-DNA グリコシ
ラーゼ		
203687_at	9630,9631,9632,9633,9634,9635,9636,9637,9638,9639,9	
640	36459	CX3CL1; ケモカイン (C-X3-Cモチーフ
フ)リガンド 1		
203688_at	9641,9642,9643,9644,9645,9646,9647,9648,9649,9650,9	
651	36460	PKD2; 多発性嚢胞腎 2 (常染色体優
性)		
203695_s_at	9652,9653,9654,9655,9656,9657,9658,9659,9660,9661	
,9662	36461	DFNA5; 聴覚障害, 常染色体優性
5		
203698_s_at	9663,9664,9665,9666,9667,9668,9669,9670,9671,9672	
,9673	36462	FRZB; frizzled関連 タンパク質
203700_s_at	9674,9675,9676,9677,9678,9679,9680,9681,9682,9683	
,9684	36463	DI02; 脱ヨウ素酵素, ヨードチロ
ニン, II型		
203705_s_at	9685,9686,9687,9688,9689,9690,9691,9692,9693,9694	
,9695	36464	FZD7; frizzled ホモログ 7 (Dro
sophila)		
203706_s_at	9696,9697,9698,9699,9700,9701,9702,9703,9704,9705	
,9706	36465	FZD7; frizzled ホモログ 7 (Dro
sophila)		
203710_at	9707,9708,9709,9710,9711,9712,9713,9714,9715,9716,9	
717	36466	ITPR1; イノシトール 1,4,5-トリホ
スフェート レセプター, 1型		
203720_s_at	9718,9719,9720,9721,9722,9723,9724,9725,9726,9727	

,9728	36467	ERCC1; 除去修復交差補完げっ歯
類修復欠損, 相補群1 (重複アンチセンス配列を含む)		
203721_s_at	9729,9730,9731,9732,9733,9734,9735,9736,9737,9738	
,9739	36468	CGI-48; CGI-48 タンパク質
203722_at	9740,9741,9742,9743,9744,9745,9746,9747,9748,9749,9	
750	36469	ALDH4A1; アルデヒドデヒドロゲナ
ーゼ 4ファミリー, メンバーA1		
203725_at	9751,9752,9753,9754,9755,9756,9757,9758,9759,9760,9	
761	36470	GADD45A; 成長停止およびDNA損傷誘
導性, α		
203729_at	9762,9763,9764,9765,9766,9767,9768,9769,9770,9771,9	
772	36471	EMP3; 上皮膜タンパク質 3
203733_at	9773,9774,9775,9776,9777,9778,9779,9780,9781,9782,9	
783	36472	DEXI; デキサメタゾン誘導性転写物
203735_x_at	9784,9785,9786,9787,9788,9789,9790,9791,9792,9793	
,9794	36473	PPFIBP1; PTPRF 相互作用 タンパ
ク質, 結合タンパク質1 (リブリン β 1)		
203739_at	9795,9796,9797,9798,9799,9800,9801,9802,9803,9804,9	
805	36474	ZNF217; ジンクフィンガータンパク
質 217		
203746_s_at	9806,9807,9808,9809,9810,9811,9812,9813,9814,9815	
,9816	36475	HCCS; ホロシトクロム c シンタ
ーゼ (シトクロムc ヘムリアーゼ)		
203748_x_at	9817,9818,9819,9820,9821,9822,9823,9824,9825,9826	
,9827	36476	RBMS1; RNA結合モチーフ, 一本鎖
相互作用 タンパク質1		
203749_s_at	9828,9829,9830,9831,9832,9833,9834,9835,9836,9837	
,9838	36477	RARA; レチノイン酸 レセプター,
α		
203752_s_at	9839,9840,9841,9842,9843,9844,9845,9846,9847,9848	
,9849	36478	JUND; jun D プロトオンコジーン
203756_at	9850,9851,9852,9853,9854,9855,9856,9857,9858,9859,9	
860	36479	ARHGEF17; Rho グアニンヌクレオチ
ド 交換因子 (GEF) 17		
203766_s_at	9861,9862,9863,9864,9865,9866,9867,9868,9869,9870	
,9871	36480	LMOD1; レイオモジン 1 (平滑筋)
203771_s_at	9872,9873,9874,9875,9876,9877,9878,9879,9880,9881	
,9882	36481	BLVRA; ビリベルジン レダクター
ゼ A		
203773_x_at	9883,9884,9885,9886,9887,9888,9889,9890,9891,9892	
,9893	36482	BLVRA; ビリベルジン レダクター
ゼ A		
203787_at	9894,9895,9896,9897,9898,9899,9900,9901,9902,9903,9	
904	36483	SSBP2; 一本鎖DNA 結合タンパク質
2		
203791_at	9905,9906,9907,9908,9909,9910,9911,9912,9913,9914,9	
915	36484	DMXL1; Dmx様 1
203794_at	9916,9917,9918,9919,9920,9921,9922,9923,9924,9925,9	
926	36485	CDC42BPA; CDC42 結合タンパク質

キナーゼ α (DMPK様)		
203810_at	9927, 9928, 9929, 9930, 9931, 9932, 9933, 9934, 9935, 9936, 9	
937	36486	DNAJB4; DnaJ (Hsp40) ホモログ,
サブファミリーB, メンバー4		
203811_s_at	9938, 9939, 9940, 9941, 9942, 9943, 9944, 9945, 9946, 9947	
, 9948	36487	DNAJB4; DnaJ (Hsp40) ホモログ,
サブファミリーB, メンバー4		
203812_at	9949, 9950, 9951, 9952, 9953, 9954, 9955, 9956, 9957, 9958, 9	
959	36488	SLIT3; スリットホモログ 3 (Droso
phila)		
203813_s_at	9960, 9961, 9962, 9963, 9964, 9965, 9966, 9967, 9968, 9969	
, 9970	36489	SLIT3; スリットホモログ 3 (Dro
sophila)		
203823_at	9971, 9972, 9973, 9974, 9975, 9976, 9977, 9978, 9979, 9980, 9	
981	36490	RGS3; G-タンパク質シグナル伝達 3
の調節因子		
203834_s_at	9982, 9983, 9984, 9985, 9986, 9987, 9988, 9989, 9990, 9991	
, 9992	36491	TGOLN2; トランスゴルジネットワ
ークタンパク質 2		
203851_at	9993, 9994, 9995, 9996, 9997, 9998, 9999, 10000, 10001, 1000	
2, 10003	36492	IGFBP6; インスリン様 成長因
子 結合タンパク質6		
203853_s_at	10004, 10005, 10006, 10007, 10008, 10009, 10010, 10011, 1	
0012, 10013, 10014	36493	GAB2; GRB2関連 結合
タンパク質 2		
203857_s_at	10015, 10016, 10017, 10018, 10019, 10020, 10021, 10022, 1	
0023, 10024, 10025	36494	PD1R; タンパク質 ジ
スルフィドイソメラーゼ関連		
203867_s_at	10026, 10027, 10028, 10029, 10030, 10031, 10032, 10033, 1	
0034, 10035, 10036	36495	FLJ10458; Notchless
遺伝子ホモログ(Drosophila)		
203884_s_at	10037, 10038, 10039, 10040, 10041, 10042, 10043, 10044, 1	
0045, 10046, 10047	36496	RAB11FIP2; RAB11フ
ァミリー 相互作用 タンパク質 2 (クラスI)		
203886_s_at	10048, 10049, 10050, 10051, 10052, 10053, 10054, 10055, 1	
0056, 10057, 10058	36497	FBLN2; フィブリン 2
203892_at	10059, 10060, 10061, 10062, 10063, 10064, 10065, 10066, 100	
67, 10068, 10069	36498	WFDC2; WAP 4つのジス
ルフィドコアドメイン 2		
203903_s_at	10070, 10071, 10072, 10073, 10074, 10075, 10076, 10077, 1	
0078, 10079, 10080	36499	HEPH; ヘパエスチン
203908_at	10081, 10082, 10083, 10084, 10085, 10086, 10087, 10088, 100	
89, 10090, 10091	36500	SLC4A4; 溶質キャリア
ファミリー 4, 炭酸水素ナトリウム共輸送体, メンバー4		
203909_at	10092, 10093, 10094, 10095, 10096, 10097, 10098, 10099, 101	
00, 10101, 10102	36501	SLC9A6; 溶質キャリア
ファミリー 9 (ナトリウム/水素交換体), アイソフォーム 6		
203911_at	10103, 10104, 10105, 10106, 10107, 10108, 10109, 10110, 101	
11, 10112, 10113	36502	RAP1GA1; RAP1, GTPase
活性化タンパク質1		

203926_x_at	10114,10115,10116,10117,10118,10119,10120,10121,10122,10123,10124	36503	ATP5D; ATP シンターゼ, H ⁺ 輸送, ミトコンドリア F1複合体, δ サブユニット
203928_x_at	10125,10126,10127,10128,10129,10130,10131,10132,10133,10134,10135	36504	MAPT; 微小管関連タンパク質 τ
203931_s_at	10136,10137,10138,10139,10140,10141,10142,10143,10144,10145,10146	36505	MRPL12; ミトコンドリア リボソームタンパク質 L12
203944_x_at	10147,10148,10149,10150,10151,10152,10153,10154,10155,10156,10157	36506	BTN2A1; ブチロフィリン, サブファミリー2, メンバーA1
203950_s_at	10158,10159,10160,10161,10162,10163,10164,10165,10166,10167,10168	36507	CLCN6; 塩素イオンチャネル 6
203951_at	10169,10170,10171,10172,10173,10174,10175,10176,10177,10178,10179	36508	CNN1; カルボニン 1, 塩基性, 平滑筋
203952_at	10180,10181,10182,10183,10184,10185,10186,10187,10188,10189,10190	36509	ATF6; 活性化転写因子 6
203953_s_at	10191,10192,10193,10194,10195,10196,10197,10198,10199,10200,10201	36510	CLDN3; クラウディン 3
203954_x_at	10202,10203,10204,10205,10206,10207,10208,10209,10210,10211,10212	36511	CLDN3; クラウディン 3
203966_s_at	10213,10214,10215,10216,10217,10218,10219,10220,10221,10222,10223	36512	PPM1A; タンパク質ホスファターゼ1A (以前は 2C), マグネシウム依存性, α アイソフォーム
203973_s_at	10224,10225,10226,10227,10228,10229,10230,10231,10232,10233,10234	36513	CEBPD; CCAAT/エンハンサー 結合タンパク質 (C/EBP), δ
203986_at	10235,10236,10237,10238,10239,10240,10241,10242,10243,10244,10245	36514	GENX-3414; ジェネトニン 1
204000_at	10246,10247,10248,10249,10250,10251,10252,10253,10254,10255,10256	36515	GNB5; グアニンヌクレオチド 結合タンパク質 (G タンパク質), β 5
204003_s_at	10257,10258,10259,10260,10261,10262,10263,10264,10265,10266,10267	36516	NUPL2; ヌクレオポリン様 2
204005_s_at	10268,10269,10270,10271,10272,10273,10274,10275,10276,10277,10278	36517	PAWR; PRKC, アポトーシス, WT1, 調節因子
204017_at	10279,10280,10281,10282,10283,10284,10285,10286,10287,10288,10289	36518	KDELRL3; KDEL (Lys-Asp-Glu-Leu) 小胞体 タンパク質保持 レセプター 3
204030_s_at	10290,10291,10292,10293,10294,10295,10296,10297,10298,10299,10300	36519	SCHIP1; シュワノミ

ン相互作用 タンパク質 1

204031_s_at	10301,10302,10303,10304,10305,10306,10307,10308,1	
0309,10310,10311	36520	PCBP2; ポリ(rC) 結
合タンパク質 2		
204034_at	10312,10313,10314,10315,10316,10317,10318,10319,103	
20,10321,10322	36521	ETHE1; エチルマロン酸
脳症 1		
204037_at	10323,10324,10325,10326,10327,10328,10329,10330,103	
31,10332,10333	36522	EDG2; 内皮分化, リゾ
ホスファチジル酸G-タンパク質結合レセプター, 2		
204038_s_at	10334,10335,10336,10337,10338,10339,10340,10341,1	
0342,10343,10344	36523	EDG2; 内皮分化, リ
ゾホスファチジル酸G-タンパク質結合レセプター, 2		
204041_at	10345,10346,10347,10348,10349,10350,10351,10352,103	
53,10354,10355	36524	MAOB; モノアミン オキ
シダーゼ B		
204042_at	10356,10357,10358,10359,10360,10361,10362,10363,103	
64,10365,10366	36525	WASF3;WAS タンパク質
ファミリー, メンバー3		
204043_at	10367,10368,10369,10370,10371,10372,10373,10374,103	
75,10376,10377	36526	TCN2; トランスコバラ
ミン II; 大球性貧血		
204045_at	10378,10379,10380,10381,10382,10383,10384,10385,103	
86,10387,10388	36527	TCEAL1; 転写 伸長因子
A (SII)様1		
204050_s_at	10389,10390,10391,10392,10393,10394,10395,10396,1	
0397,10398,10399	36528	CLTA; クラスリン,
軽ポリペプチド(Lca)		
204058_at	10400,10401,10402,10403,10404,10405,10406,10407,104	
08,10409,10410	36529	ME1; リンゴ酸酵素 1,
NADP(+)依存性, サイトゾル		
204059_s_at	10411,10412,10413,10414,10415,10416,10417,10418,1	
0419,10420,10421	36530	ME1; リンゴ酸酵素 1
, NADP(+)依存性, サイトゾル		
204066_s_at	10422,10423,10424,10425,10426,10427,10428,10429,1	
0430,10431,10432	36531	CENTG2; センタウリ
ン, γ 2		
204069_at	10433,10434,10435,10436,10437,10438,10439,10440,104	
41,10442,10443	36532	MEIS1; Meis1, 骨髄エ
コトピックウイルス統合部位 1 ホモログ (マウス)		
204078_at	10444,10445,10446,10447,10448,10449,10450,10451,104	
52,10453,10454	36533	SC65; シネプトネマ複
合体 タンパク質SC65		
204079_at	10455,10456,10457,10458,10459,10460,10461,10462,104	
63,10464,10465	36534	TPST2; チロシルタンパ
ク質スルホトランスフェラーゼ 2		
204083_s_at	10466,10467,10468,10469,10470,10471,10472,10473,1	
0474,10475,10476	36535	TPM2; トロポミオシ
ン 2 (β)		
204084_s_at	10477,10478,10479,10480,10481,10482,10483,10484,1	

0485,10486,10487 素症, ニューロン5	36536	CLN5; セロイド脂褐
204088_at 96,10497,10498 セプター P2X, リガンド依存性イオンチャネル, 4	10488,10489,10490,10491,10492,10493,10494,10495,10496,10497,10498 36537	P2RX4; プリン作動性レ
204099_at 07,10508,10509 マトリックス関連, クロマチンのアクチン依存性 調節因子, サブファミリー d, メンバー3	10499,10500,10501,10502,10503,10504,10505,10506,10507,10508,10509 36538	SMARCD3; SWI/SNF関連,
204100_at 18,10519,10520 レセプター, α (正赤芽球性白血病 viral (v-erb-a) オンコジーンホモログ, トリ)	10510,10511,10512,10513,10514,10515,10516,10517,10518,10519,10520 36539	THRA; 甲状腺ホルモン
204109_s_at 0529,10530,10531 α	10521,10522,10523,10524,10525,10526,10527,10528,10529,10530,10531 36540	NFYA; 核転写因子 Y,
204114_at 40,10541,10542 オステオニドジェン)	10532,10533,10534,10535,10536,10537,10538,10539,10540,10541,10542 36541	NID2; ニドジェン 2 (
204117_at 51,10552,10553 ペプチダーゼ	10543,10544,10545,10546,10547,10548,10549,10550,10551,10552,10553 36542	PREP; プロリル エンド
204122_at 62,10563,10564 質 チロシン キナーゼ 結合タンパク質	10554,10555,10556,10557,10558,10559,10560,10561,10562,10563,10564 36543	TYROBP; TYRO タンパク
204123_at 73,10574,10575 A, ATP依存性	10565,10566,10567,10568,10569,10570,10571,10572,10573,10574,10575 36544	LIG3; リガーゼ III, DN
204133_at 84,10585,10586 核小体 相互作用 タンパク質 2	10576,10577,10578,10579,10580,10581,10582,10583,10584,10585,10586 36545	RNU3IP2; RNA, U3 小型
204134_at 95,10596,10597 ラーゼ 2A, cGMP刺激性	10587,10588,10589,10590,10591,10592,10593,10594,10595,10596,10597 36546	PDE2A; ホスホジエステ
204135_at 06,10607,10608 ンレギュレートされる	10598,10599,10600,10601,10602,10603,10604,10605,10606,10607,10608 36547	DOC1; 卵巣癌 1でダウ
204140_at 17,10618,10619 ク質スルホトランスフェラーゼ 1	10609,10610,10611,10612,10613,10614,10615,10616,10617,10618,10619 36548	TPST1; チロシルタンパ
204141_at 28,10629,10630 β ポリペプチド	10620,10621,10622,10623,10624,10625,10626,10627,10628,10629,10630 36549	TUBB; チューブリン,
204147_s_at 0639,10640,10641 1	10631,10632,10633,10634,10635,10636,10637,10638,10639,10640,10641 36550	TFDP1; 転写因子 Dp-
204151_x_at 0650,10651,10652 トレダクターゼファミリー 1, メンバーC1 (ジヒドロジオールデヒドロゲナーゼ 1; 20- α (3- α)-ヒドロキシステロイドデヒドロゲナーゼ)	10642,10643,10644,10645,10646,10647,10648,10649,10650,10651,10652 36551	AKR1C1; アルドーキ
204160_s_at	10653,10654,10655,10656,10657,10658,10659,10660,10653,10654,10655,10656,10657,10658,10659,10660,1	

0661,10662,10663	36552	ENPP4; エクトヌクレ
オチドピロホスファターゼ/ホスホジエステラーゼ 4 (推定機能)		
204163_at	10664,10665,10666,10667,10668,10669,10670,10671,106	
72,10673,10674	36553	EMILIN1; エラスチンミ
クロフィブリル界面1		
204168_at	10675,10676,10677,10678,10679,10680,10681,10682,106	
83,10684,10685	36554	MGST2; ミクロソーム
グルタチオンS-トランスフェラーゼ2		
204169_at	10686,10687,10688,10689,10690,10691,10692,10693,106	
94,10695,10696	36555	IMPDH1; IMP (イノシン
ーリン酸) デヒドロゲナーゼ1		
204170_s_at	10697,10698,10699,10700,10701,10702,10703,10704,1	
0705,10706,10707	36556	CKS2; CDC28 タンパ
ク質 キナーゼ 調節性 サブユニット 2		
204174_at	10708,10709,10710,10711,10712,10713,10714,10715,107	
16,10717,10718	36557	ALOX5AP; アラキドン酸
5-リポキシゲナーゼ活性化タンパク質		
204175_at	10719,10720,10721,10722,10723,10724,10725,10726,107	
27,10728,10729	36558	ZNF593; ジンクフィン
ガータンパク質593		
204212_at	10730,10731,10732,10733,10734,10735,10736,10737,107	
38,10739,10740	36559	PTE1; ペルオキシソー
ムアシル-CoA チオエステラーゼ		
204214_s_at	10741,10742,10743,10744,10745,10746,10747,10748,1	
0749,10750,10751	36560	RAB32; RAB32, メン
バーRAS オンコジーンファミリー		
204223_at	10752,10753,10754,10755,10756,10757,10758,10759,107	
60,10761,10762	36561	PRELP; プロリンアルギ
ニンリッチ エンドロイシンリッチ 繰り返しタンパク質		
204227_s_at	10763,10764,10765,10766,10767,10768,10769,10770,1	
0771,10772,10773	36562	TK2; チミジンキナー
ゼ 2, ミトコンドリア		
204231_s_at	10774,10775,10776,10777,10778,10779,10780,10781,1	
0782,10783,10784	36563	FAAH; 脂肪酸アミド
ヒドロラーゼ		
204233_s_at	10785,10786,10787,10788,10789,10790,10791,10792,1	
0793,10794,10795	36564	CHKA; コリンキナー
ゼ α		
204238_s_at	10796,10797,10798,10799,10800,10801,10802,10803,1	
0804,10805,10806	36565	C6orf108; 染色体 6
オープンリーディングフレーム 108		
204245_s_at	10807,10808,10809,10810,10811,10812,10813,10814,1	
0815,10816,10817	36566	RPP14; リボヌクレア
ーゼ P14kDa サブユニット		
204246_s_at	10818,10819,10820,10821,10822,10823,10824,10825,1	
0826,10827,10828	36567	DCTN3; ディナクチン
3 (p22)		
204247_s_at	10829,10830,10831,10832,10833,10834,10835,10836,1	
0837,10838,10839	36568	CDK5; サイクリン依
存性 キナーゼ 5		

204257_at	10840,10841,10842,10843,10844,10845,10846,10847,10848,10849,10850	36569	FADS3; 脂肪酸 不飽和 化酵素 3
204271_s_at	10851,10852,10853,10854,10855,10856,10857,10858,10859,10860,10861	36570	EDNRB; エンドセリン レセプター B型
204273_at	10862,10863,10864,10865,10866,10867,10868,10869,10870,10871,10872	36571	EDNRB; エンドセリンレ セプター B型
204288_s_at	10873,10874,10875,10876,10877,10878,10879,10880,10881,10882,10883	36572	ARGBP2; Arg/Abl-相 互作用 プロテインArgBP2
204295_at	10884,10885,10886,10887,10888,10889,10890,10891,10892,10893,10894	36573	SURF1; surfeit 1
204298_s_at	10895,10896,10897,10898,10899,10900,10901,10902,10903,10904,10905	36574	LOX; リシル オキシ ダーゼ
204308_s_at	10906,10907,10908,10909,10910,10911,10912,10913,10914,10915,10916	36575	KIAA0329; KIAA0329
204310_s_at	10917,10918,10919,10920,10921,10922,10923,10924,10925,10926,10927	36576	NPR2; ナトリウム利 尿ペプチドレセプター B/ グアニル酸シクラーゼ B (心房性ナトリウム利尿ペプチド レセ プター B)
204312_x_at	10928,10929,10930,10931,10932,10933,10934,10935,10936,10937,10938	36577	CREB1; cAMP 応答性 エレメント結合タンパク質 1
204319_s_at	10939,10940,10941,10942,10943,10944,10945,10946,10947,10948,10949	36578	RGS10; G-タンパク質 シグナル伝達の調節因子 10
204331_s_at	10950,10951,10952,10953,10954,10955,10956,10957,10958,10959,10960	36579	MRPS12; ミトコンド リア リボソームタンパク質 S12
204340_at	10961,10962,10963,10964,10965,10966,10967,10968,10969,10970,10971	36580	CXorf12; 染色体 X オ ープンリーディングフレーム 12
204341_at	10972,10973,10974,10975,10976,10977,10978,10979,10980,10981,10982	36581	TRIM16; 3部のモチーフ 含有 16
204344_s_at	10983,10984,10985,10986,10987,10988,10989,10990,10991,10992,10993	36582	SEC23A; Sec23 ホモ ログ A (S.cerevisiae)
204345_at	10994,10995,10996,10997,10998,10999,11000,11001,11002,11003,11004	36583	COL16A1; コラーゲン, XVI型, α 1
204352_at	11005,11006,11007,11008,11009,11010,11011,11012,11013,11014,11015	36584	TRAF5; TNF レセプター 関連因子 5
204359_at	11016,11017,11018,11019,11020,11021,11022,11023,11024,11025,11026	36585	FLRT2; フィブロネクチ ン ロイシンリッチ膜貫通 タンパク質 2

204360_s_at	11027,11028,11029,11030,11031,11032,11033,11034,1	
1035,11036,11037	36586	NAGLU; N- アセチルグ
ルコサミニダーゼ, α - (Sanfilippo病 IIIB)		
204364_s_at	11038,11039,11040,11041,11042,11043,11044,11045,1	
1046,11047,11048	36587	C2orf23; 染色体 2
オープンリーディングフレーム 23		
204386_s_at	11049,11050,11051,11052,11053,11054,11055,11056,1	
1057,11058,11059	36588	MRP63; ミトコンドリ
ア リボソームタンパク質 63		
204387_x_at	11060,11061,11062,11063,11064,11065,11066,11067,1	
1068,11069,11070	36589	MRP63; ミトコンドリ
ア リボソームタンパク質 63		
204391_x_at	11071,11072,11073,11074,11075,11076,11077,11078,1	
1079,11080,11081	36590	TIF1; 転写媒介因子
1		
204392_at	11082,11083,11084,11085,11086,11087,11088,11089,110	
90,11091,11092	36591	CAMK1; カルシウム / カ
ルモジュリン依存性 タンパク質 キナーゼ I		
204393_s_at	11093,11094,11095,11096,11097,11098,11099,11100,1	
1101,11102,11103	36592	ACPP; 酸性ホスファ
ターゼ, 前立腺		
204394_at	11104,11105,11106,11107,11108,11109,11110,11111,111	
12,11113,11114	36593	SLC43A1; 溶質キャリア
ファミリー 43, メンバー1		
204395_s_at	11115,11116,11117,11118,11119,11120,11121,11122,1	
1123,11124,11125	36594	GRK5; G タンパク質
結合 レセプター キナーゼ 5		
204396_s_at	11126,11127,11128,11129,11130,11131,11132,11133,1	
1134,11135,11136	36595	GRK5; G タンパク質
結合 レセプター キナーゼ 5		
204400_at	11137,11138,11139,11140,11141,11142,11143,11144,111	
45,11146,11147	36596	EFS; 胚性 Fyn関連 基
質		
204412_s_at	11148,11149,11150,11151,11152,11153,11154,11155,1	
1156,11157,11158	36597	NEFH; 神経フェラメ
ント, 重ポリペプチド200kDa		
204415_at	11159,11160,11161,11162,11163,11164,11165,11166,111	
67,11168,11169	36598	G1P3; インターフェロ
ン, α 誘導性 タンパク質(クロンIFI-6-16)		
204418_x_at	11170,11171,11172,11173,11174,11175,11176,11177,1	
1178,11179,11180	36599	GSTM2; グルタチオン
S- トランスフェラーゼ M2(筋肉)		
204421_s_at	11181,11182,11183,11184,11185,11186,11187,11188,1	
1189,11190,11191	36600	FGF2; 線維芽細胞 成
長因子 2 (塩基性)		
204422_s_at	11192,11193,11194,11195,11196,11197,11198,11199,1	
1200,11201,11202	36601	FGF2; 線維芽細胞 成
長因子 2 (塩基性)		
204424_s_at	11203,11204,11205,11206,11207,11208,11209,11210,1	
1211,11212,11213	36602	LM03; LIMドメインの

み 3 (ロンボチン様2)

204426_at	11214,11215,11216,11217,11218,11219,11220,11221,11222,11223,11224	36603	RNP24; 被覆小胞膜タンパク質
204427_s_at	11225,11226,11227,11228,11229,11230,11231,11232,11233,11234,11235	36604	RNP24; 被覆小胞膜タンパク質
204429_s_at	11236,11237,11238,11239,11240,11241,11242,11243,11244,11245,11246	36605	SLC2A5; 溶質キャリア
アフファミリー 2(促進性グルコース/フルクトース トランスポーター), メンバー5			
204430_s_at	11247,11248,11249,11250,11251,11252,11253,11254,11255,11256,11257	36606	SLC2A5; 溶質キャリア
アフファミリー 2(促進性グルコース/フルクトース トランスポーター), メンバー5			
204436_at	11258,11259,11260,11261,11262,11263,11264,11265,11266,11267,11268	36607	pp9099; PHドメイン含有タンパク質
204442_x_at	11269,11270,11271,11272,11273,11274,11275,11276,11277,11278,11279	36608	LTBP4; 潜在性形質転換成長因子 β 結合タンパク質 4
204448_s_at	11280,11281,11282,11283,11284,11285,11286,11287,11288,11289,11290	36609	PDCL; ホスデューシン様
204460_s_at	11291,11292,11293,11294,11295,11296,11297,11298,11299,11300,11301	36610	RAD1; RAD1 ホモログ (S.pombe)
204462_s_at	11302,11303,11304,11305,11306,11307,11308,11309,11310,11311,11312	36611	SLC16A2; 溶質キャリア
アフファミリー 16(モノカルボン酸トランスポーター), メンバー2			
204463_s_at	11313,11314,11315,11316,11317,11318,11319,11320,11321,11322,11323	36612	EDNRA; エンドセリン
レセプター A型			
204464_s_at	11324,11325,11326,11327,11328,11329,11330,11331,11332,11333,11334	36613	EDNRA; エンドセリン
レセプター A型			
204472_at	11335,11336,11337,11338,11339,11340,11341,11342,11343,11344,11345	36614	GEM; 骨格筋で過剰発現されるGTP 結合タンパク質
204480_s_at	11346,11347,11348,11349,11350,11351,11352,11353,11354,11355,11356	36615	C9orf16; 染色体 9
オープンリーディングフレーム 16			
204484_at	11357,11358,11359,11360,11361,11362,11363,11364,11365,11366,11367	36616	PIK3C2B; ホスホイノシチド-3-キナーゼ, クラス2, β ポリペプチド
204491_at	11368,11369,11370,11371,11372,11373,11374,11375,11376,11377,11378	36617	PDE4D; ホスホジエステラーゼ 4D,cAMP特異的 (ホスホジエステラーゼ E3 ダンスホモログ, Drosophila)
204497_at	11379,11380,11381,11382,11383,11384,11385,11386,11387,11388,11389	36618	ADCY9; アデニル酸シクラーゼ 9
204504_s_at	11390,11391,11392,11393,11394,11395,11396,11397,11398,11399,11400		

1398,11399,11400 用 タンパク質 3	36619	HIRIP3; HIRA 相互作
204514_at 09,11410,11411 cerevisiae)	11401,11402,11403,11404,11405,11406,11407,11408,114 36620	DPH2L2; DPH2様 2 (S.
204517_at 20,11421,11422 リル イソメラーゼC (サイクロフィリン C)	11412,11413,11414,11415,11416,11417,11418,11419,114 36621	PPIC; ペプチジルプロ
204518_s_at 1431,11432,11433 ロリル イソメラーゼ C (サイクロフィリン C)	11423,11424,11425,11426,11427,11428,11429,11430,1 36622	PPIC; ペプチジルプ
204556_s_at 1442,11443,11444 タンパク質 1	11434,11435,11436,11437,11438,11439,11440,11441,1 36623	DZIP1; DAZ 相互作用
204562_at 53,11454,11455 ン 調節性因子 4	11445,11446,11447,11448,11449,11450,11451,11452,114 36624	IRF4; インターフェロ
204567_s_at 1464,11465,11466 ット, サブファミリーG (WHITE), メンバー1	11456,11457,11458,11459,11460,11461,11462,11463,1 36625	ABCG1; ATP結合カセ
204570_at 75,11476,11477 オキシダーゼ サブユニット VIIa ポリペプチド 1 (muscle)	11467,11468,11469,11470,11471,11472,11473,11474,114 36626	COX7A1; シトクロム c
204576_s_at 1486,11487,11488 ン関連 タンパク質1	11478,11479,11480,11481,11482,11483,11484,11485,1 36627	CLUAP1; クラスタリ
204595_s_at 1497,11498,11499 ルシン 1	11489,11490,11491,11492,11493,11494,11495,11496,1 36628	STC1; スタンニオカ
204599_s_at 1508,11509,11510 リア リボソームタンパク質 L28	11500,11501,11502,11503,11504,11505,11506,11507,1 36629	MRPL28; ミトコンド
204607_at 19,11520,11521 3-メチルグルタルル-補酵素A シンターゼ 2 (ミトコンドリア)	11511,11512,11513,11514,11515,11516,11517,11518,115 36630	HMGCS2; 3-ヒドロキシ-
204608_at 30,11531,11532 酸リアーゼ	11522,11523,11524,11525,11526,11527,11528,11529,115 36631	ASL; アルギニノコナク
204610_s_at 1541,11542,11543 原-相互作用 プロテインA	11533,11534,11535,11536,11537,11538,11539,11540,1 36632	DIPA; デルタ肝炎抗
204611_s_at 1552,11553,11554 ホスファターゼ2, 調節性 サブユニット B (B56), β アイソフォーム	11544,11545,11546,11547,11548,11549,11550,11551,1 36633	PPP2R5B; タンパク質
204615_x_at 1563,11564,11565 ル-ニリン酸 δ イソメラーゼ	11555,11556,11557,11558,11559,11560,11561,11562,1 36634	IDI1; イソペンテニ
204616_at 74,11575,11576 ボキシル末端 エステラーゼ L3 (ユビキチン チオールエステラーゼ)	11566,11567,11568,11569,11570,11571,11572,11573,115 36635	UCHL3; ユビキチンカル

204655_at	11577,11578,11579,11580,11581,11582,11583,11584,115	
85,11586,11587	36636	
204682_at	11588,11589,11590,11591,11592,11593,11594,11595,115	
96,11597,11598	36637	LTBP2; 潜在性形質転換
成長因子 β 結合タンパク質 2		
204688_at	11599,11600,11601,11602,11603,11604,11605,11606,116	
07,11608,11609	36638	SGCE; サルコグリカン,
ϵ		
204695_at	11610,11611,11612,11613,11614,11615,11616,11617,116	
18,11619,11620	36639	CDC25A; 細胞分裂周期
25A		
204701_s_at	11621,11622,11623,11624,11625,11626,11627,11628,1	
1629,11630,11631	36640	STOML1; ストマチン(
EPB72) 様 1		
204713_s_at	11632,11633,11634,11635,11636,11637,11638,11639,1	
1640,11641,11642	36641	F5; 凝固因子 V (プ
ロアクセリン, 不安定因子)		
204714_s_at	11643,11644,11645,11646,11647,11648,11649,11650,1	
1651,11652,11653	36642	F5; 凝固因子 V (プ
ロアクセリン, 不安定因子)		
204730_at	11654,11655,11656,11657,11658,11659,11660,11661,116	
62,11663,11664	36643	RIMS3; 制御シナプス膜
エキソサイトーシス3		
204731_at	11665,11666,11667,11668,11669,11670,11671,11672,116	
73,11674,11675	36644	TGFBR3; 形質転換成長
因子, β レセプターIII (β グリカン, 300kDa)		
204734_at	11676,11677,11678,11679,11680,11681,11682,11683,116	
84,11685,11686	36645	KRT15; ケラチン 15
204744_s_at	11687,11688,11689,11690,11691,11692,11693,11694,1	
1695,11696,11697	36646	IARS; イソロイシン-
tRNA シンテターゼ		
204749_at	11698,11699,11700,11701,11702,11703,11704,11705,117	
06,11707,11708	36647	NAP1L3; ヌクレオソー
ム組立タンパク質1様 3		
204751_x_at	11709,11710,11711,11712,11713,11714,11715,11716,1	
1717,11718,11719	36648	DSC2; デスモコリン
2		
204753_s_at	11720,11721,11722,11723,11724,11725,11726,11727,1	
1728,11729,11730	36649	HLF; 肝臓 白血病因
子		
204754_at	11731,11732,11733,11734,11735,11736,11737,11738,117	
39,11740,11741	36650	HLF; 肝臓 白血病因子
204755_x_at	11742,11743,11744,11745,11746,11747,11748,11749,1	
1750,11751,11752	36651	HLF; 肝臓 白血病因
子		
204759_at	11753,11754,11755,11756,11757,11758,11759,11760,117	
61,11762,11763	36652	CHC1L; 染色体濃縮1様
204763_s_at	11764,11765,11766,11767,11768,11769,11770,11771,1	
1772,11773,11774	36653	GNA01; グアニンヌク
レオチド 結合タンパク質 (G タンパク質), α 活性化活性 ポリペプチド 0		

204773_at	11775,11776,11777,11778,11779,11780,11781,11782,11783,11784,11785	36654	IL11RA; インターロイキン 11 レセプター, α
204777_s_at	11786,11787,11788,11789,11790,11791,11792,11793,11794,11795,11796	36655	MAL; mal, T細胞分化タンパク質
204780_s_at	11797,11798,11799,11800,11801,11802,11803,11804,11805,11806,11807	36656	TNFRSF6; 腫瘍壊死因子 レセプター スーパーファミリー, メンバー6
204790_at	11808,11809,11810,11811,11812,11813,11814,11815,11816,11817,11818	36657	SMAD7; SMAD, mothers against DPP ホモログ7 (Drosophila)
204793_at	11819,11820,11821,11822,11823,11824,11825,11826,11827,11828,11829	36658	GPRASP1;G タンパク質結合 レセプター関連選別タンパク質 1
204795_at	11830,11831,11832,11833,11834,11835,11836,11837,11838,11839,11840	36659	PRR3; プロリンリッチ3
204800_s_at	11841,11842,11843,11844,11845,11846,11847,11848,11849,11850,11851	36660	FLJ13639; 仮想タンパク質FLJ13639
204802_at	11852,11853,11854,11855,11856,11857,11858,11859,11860,11861,11862	36661	RRAD; Ras関連 糖尿病に関連
204803_s_at	11863,11864,11865,11866,11867,11868,11869,11870,11871,11872,11873	36662	RRAD; Ras関連 糖尿病に関連
204820_s_at	11874,11875,11876,11877,11878,11879,11880,11881,11882,11883,11884	36663	BTN3A3; ブチロフィリン, サブファミリー3, メンバーA3
204829_s_at	11885,11886,11887,11888,11889,11890,11891,11892,11893,11894,11895	36664	FOLR2; 葉酸レセプター 2(fetal)
204834_at	11896,11897,11898,11899,11900,11901,11902,11903,11904,11905,11906	36665	FGL2; フィブリノゲン様 2
204852_s_at	11907,11908,11909,11910,11911,11912,11913,11914,11915,11916,11917	36666	PTPN7; タンパク質チロシン ホスファターゼ, 非レセプター type 7
204853_at	11918,11919,11920,11921,11922,11923,11924,11925,11926,11927,11928	36667	ORC2L; 起点認識複合体, サブユニット 2様 (酵母)
204854_at	11929,11930,11931,11932,11933,11934,11935,11936,11937,11938,11939	36668	LEPREL2; レプレカン様 2
204862_s_at	11940,11941,11942,11943,11944,11945,11946,11947,11948,11949,11950	36669	NME3; 非転移性細胞3, タンパク質発現
204872_at	11951,11952,11953,11954,11955,11956,11957,11958,11959,11960,11961	36670	TLE4; スプリット4 の

トランスデューシン様エンハンサー(E(sp1) ホモログ, <i>Drosophila</i>)		
204875_s_at	11962,11963,11964,11965,11966,11967,11968,11969,1	
1970,11971,11972	36671	GMD5; GDP-マンノー
ス 4,6-デヒドラターゼ		
204882_at	11973,11974,11975,11976,11977,11978,11979,11980,119	
81,11982,11983	36672	ARHGAP25; Rho GTPase
活性化タンパク質25		
204894_s_at	11984,11985,11986,11987,11988,11989,11990,11991,1	
1992,11993,11994	36673	AOC3; アミンオキシ
ダーゼ, 銅含有3(血管接着タンパク質 1)		
204901_at	11995,11996,11997,11998,11999,12000,12001,12002,120	
03,12004,12005	36674	BTRC; β -トランスデュ
ーシン繰り返し含有		
204903_x_at	12006,12007,12008,12009,12010,12011,12012,12013,1	
2014,12015,12016	36675,36676	APG4B; APG4
自家融解 4 ホモログB (<i>S. cerevisiae</i>)		
204922_at	12017,12018,12019,12020,12021,12022,12023,12024,120	
25,12026,12027	36677	FLJ22531; 仮想タンパ
ク質FLJ22531		
204927_at	12028,12029,12030,12031,12032,12033,12034,12035,120	
36,12037,12038	36678	C11orf13; 染色体 11
オープンリーディングフレーム 13		
204928_s_at	12039,12040,12041,12042,12043,12044,12045,12046,1	
2047,12048,12049	36679	SLC10A3; 溶質キャリ
アファミリー 10(ナトリウム/バイル酸共輸送体ファミリー), メンバー3		
204929_s_at	12050,12051,12052,12053,12054,12055,12056,12057,1	
2058,12059,12060	36680	VAMP5; 小胞関連膜タ
ンパク質 5 (ミオブレビン)		
204931_at	12061,12062,12063,12064,12065,12066,12067,12068,120	
69,12070,12071	36681	TCF21; 転写因子 21
204934_s_at	12072,12073,12074,12075,12076,12077,12078,12079,1	
2080,12081,12082	36682	HPN; ヘプシン (膜貫
通 プロテアーゼ, セリン 1)		
204938_s_at	12083,12084,12085,12086,12087,12088,12089,12090,1	
2091,12092,12093	36683	PLN; ホスホランバン
204939_s_at	12094,12095,12096,12097,12098,12099,12100,12101,1	
2102,12103,12104	36684	PLN; ホスホランバン
204942_s_at	12105,12106,12107,12108,12109,12110,12111,12112,1	
2113,12114,12115	36685	ALDH3B2; アルデヒド
デヒドロゲナーゼ3ファミリー, メンバーB2		
204948_s_at	12116,12117,12118,12119,12120,12121,12122,12123,1	
2124,12125,12126	36686	FST; フォリスタチン
204951_at	12127,12128,12129,12130,12131,12132,12133,12134,121	
35,12136,12137	36687	RHOH; ras ホモログ 遺
伝子ファミリー, メンバーH		
204963_at	12138,12139,12140,12141,12142,12143,12144,12145,121	
46,12147,12148	36688	SSPN; サルコspan (K
ras オンコジーン関連遺伝子)		
204964_s_at	12149,12150,12151,12152,12153,12154,12155,12156,1	
2157,12158,12159	36689	SSPN; サルコspan

(Kras オンコジーン関連遺伝子)204973_at 12160,12161,12162,12163,12164,12165,12166,12167,12168,12169,12170 36690
 GJB1;ギャップジャンクションタンパク質, β 1, 32kDa (コネキシン 32, Charcot-Marie-Toothニューロパシー,X結合)
 204979_s_at 12171,12172,12173,12174,12175,12176,12177,12178,12179,12180,12181 36691 SH3BGR; SH3ドメイン
 結合グルタミン酸リッチタンパク質
 204981_at 12182,12183,12184,12185,12186,12187,12188,12189,12190,12191,12192 36692 SLC22A18; 溶質キャリア
 アファミリー 22(有機カチオントランスポーター), メンバー18
 204985_s_at 12193,12194,12195,12196,12197,12198,12199,12200,12201,12202,12203 36693 MGC2650; 仮想タンパク質MGC2650
 204993_at 12204,12205,12206,12207,12208,12209,12210,12211,12212,12213,12214 36694 GNAZ; グアニンヌクレ
 オチド 結合タンパク質 (G タンパク質), α z ポリペプチド
 205001_s_at 12215,12216,12217,12218,12219,12220,12221,12222,12223,12224,12225 36695 DDX3Y; DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp)ボックス ポリペプチド3, Y結合
 205003_at 12226,12227,12228,12229,12230,12231,12232,12233,12234,12235,12236 36696 DOCK4; 細胞質分裂 4の
 デディケーター
 205011_at 12237,12238,12239,12240,12241,12242,12243,12244,12245,12246,12247 36697 LOH11CR2A; ヘテロ接合
 性の喪失, 11, 染色体領域 2, 遺伝子 A
 205018_s_at 12248,12249,12250,12251,12252,12253,12254,12255,12256,12257,12258 36698 MBNL2; muscleblind
 様 2(Drosophila)
 205043_at 12259,12260,12261,12262,12263,12264,12265,12266,12267,12268,12269 36699 CFTR; 嚢胞性線維症 膜
 貫通 コンガクタンズ調節因子, ATP結合カセット (サブファミリー C, メンバー7)
 205047_s_at 12270,12271,12272,12273,12274,12275,12276,12277,12278,12279,12280 36700 ASNS; アスパラギン
 シンテターゼ
 205051_s_at 12281,12282,12283,12284,12285,12286,12287,12288,12289,12290,12291 36701 KIT; v-kit Hardy-Zuckerman 4 ネコ肉腫ウイルスオンコジーンホモログ
 205074_at 12292,12293,12294,12295,12296,12297,12298,12299,12300,12301,12302 36702 SLC22A5; 溶質キャリア
 ファミリー 22(有機カチオントランスポーター), メンバー5
 205076_s_at 12303,12304,12305,12306,12307,12308,12309,12310,12311,12312,12313 36703 CRA; シスプラチン抵抗性関連
 205088_at 12314,12315,12316,12317,12318,12319,12320,12321,12322,12323,12324 36704 CXorf6; 染色体 X オープンリーディングフレーム 6
 205100_at 12325,12326,12327,12328,12329,12330,12331,12332,12333,12334,12335 36705 GFPT2; グルタミン-フルクトース-6-ホスフェートトランスアミナーゼ 2
 205109_s_at 12336,12337,12338,12339,12340,12341,12342,12343,1

2344,12345,12346 ンヌクレオチド 交換因子 (GEF) 4	36706	ARHGEF4; Rho グアニ
205110_s_at	12347,12348,12349,12350,12351,12352,12353,12354,1	
2355,12356,12357 成長因子 13	36707	FGF13; 線維芽細胞
205116_at	12358,12359,12360,12361,12362,12363,12364,12365,123	
66,12367,12368 (メロシン, 先天性筋ジストロフィー)	36708	LAMA2; ラミニン, α 2
205120_s_at	12369,12370,12371,12372,12373,12374,12375,12376,1	
2377,12378,12379 ン, β (43kDa ジストロフィン関連 糖タンパク質)	36709	SGCB; サルコグリカ
205127_at	12380,12381,12382,12383,12384,12385,12386,12387,123	
88,12389,12390 ジン-エンドペルオキシドシンターゼ1 (プロスタグランジン G/H シンターゼおよびシク	36710	PTGS1; プロスタグラン
ロオキシゲナーゼ)		
205128_x_at	12391,12392,12393,12394,12395,12396,12397,12398,1	
2399,12400,12401 ンジン-エンドペルオキシドシンターゼ1 (プロスタグランジン G/H シンターゼおよびシ	36711	PTGS1; プロスタグラ
クロオキシゲナーゼ)		
205132_at	12402,12403,12404,12405,12406,12407,12408,12409,124	
10,12411,12412 心筋	36712	ACTC; アクチン, α ,
205133_s_at	12413,12414,12415,12416,12417,12418,12419,12420,1	
2421,12422,12423 ク 10kDa タンパク質1 (シャペロニン 10)	36713	HSPE1; ヒートショッ
205141_at	12424,12425,12426,12427,12428,12429,12430,12431,124	
32,12433,12434 リボヌクレアーゼ, RNase Aファミリー, 5	36714	ANG; アンジオゲニン,
205155_s_at	12435,12436,12437,12438,12439,12440,12441,12442,1	
2443,12444,12445 ン, β , 非赤血球2	36715	SPTBN2; スペクトリ
205157_s_at	12446,12447,12448,12449,12450,12451,12452,12453,1	
2454,12455,12456	36716	KRT17; ケラチン 17
205158_at	12457,12458,12459,12460,12461,12462,12463,12464,124	
65,12466,12467 ーゼ, RNaseAファミリー, 4	36717	RNASE4; リボヌクレア
205160_at	12468,12469,12470,12471,12472,12473,12474,12475,124	
76,12477,12478 ーム生物発生因子11A	36718	PEX11A; ペルオキシソ
205164_at	12479,12480,12481,12482,12483,12484,12485,12486,124	
87,12488,12489 チルトランスフェラーゼ (2-アミノ-3-ケトブチル酸補酵素 Aリガーゼ)	36719	GCAT; グリシン C-アセ
205168_at	12490,12491,12492,12493,12494,12495,12496,12497,124	
98,12499,12500 メイン レセプターファミリー, メンバー2	36720	DDR2; ジスコイジンド
205200_at	12501,12502,12503,12504,12505,12506,12507,12508,125	
09,12510,12511 プラスミノゲン 結合タンパク質)	36721	TNA; テトラネクチン (
205219_s_at	12512,12513,12514,12515,12516,12517,12518,12519,1	
2520,12521,12522	36722	GALK2; ガラクトイキ

ナーゼ 2		
205221_at	12523,12524,12525,12526,12527,12528,12529,12530,12531,12532,12533	36723,36724 HGD; ホモゲンチ
シン酸 1,2-ジオキシゲナーゼ (ホモゲンチシン酸オキシダーゼ)		
205225_at	12534,12535,12536,12537,12538,12539,12540,12541,12542,12543,12544	36725 ESR1; エストロゲンレ
セプター 1		
205231_s_at	12545,12546,12547,12548,12549,12550,12551,12552,12553,12554,12555	36726 EPM2A; てんかん, 進
行性ミオクロノス2型A, Lafora病 (1ラホリン		
205240_at	12556,12557,12558,12559,12560,12561,12562,12563,12564,12565,12566	36727 GPSM2; G-タンパク質シ
グナル伝達調節因子2 (AGS3様, C. elegans)		
205241_at	12567,12568,12569,12570,12571,12572,12573,12574,12575,12576,12577	36728 SC02; SC0 シトクロム
オキシダーゼ欠損ホモログ 2 (酵母)		
205245_at	12578,12579,12580,12581,12582,12583,12584,12585,12586,12587,12588	36729 PARD6A; par-6 分配欠
損6 ホモログ α (C.elegans)		
205249_at	12589,12590,12591,12592,12593,12594,12595,12596,12597,12598,12599	36730 EGR2; 早期成長応答 2
(Krox-20 ホモログ, Drosophila)		
205262_at	12600,12601,12602,12603,12604,12605,12606,12607,12608,12609,12610	36731 KCNH2; カリウム 電位
依存型チャネル, サブファミリーH (eag関連), メンバー2		
205265_s_at	12611,12612,12613,12614,12615,12616,12617,12618,12619,12620,12621	36732 APEG1; 大動脈優先的
発現タンパク質 1		
205294_at	12622,12623,12624,12625,12626,12627,12628,12629,12630,12631,12632	36733 BAIAP2; BAI1関連 タン
パク質 2		
205303_at	12633,12634,12635,12636,12637,12638,12639,12640,12641,12642,12643	36734 KCNJ8; カリウム 内部
整流チャネル, サブファミリーJ, メンバー8		
205304_s_at	12644,12645,12646,12647,12648,12649,12650,12651,12652,12653,12654	36735 KCNJ8; カリウム 内
部整流チャネル, サブファミリーJ, メンバー8		
205309_at	12655,12656,12657,12658,12659,12660,12661,12662,12663,12664,12665	36736 SMPDL3B; スフェンゴミ
エリンホスホジエステラーゼ, 酸様 3B		
205321_at	12666,12667,12668,12669,12670,12671,12672,12673,12674,12675,12676	36737 EIF2S3; 真核生物翻訳
伸長因子 2, サブユニット3 γ, 52kDa		
205325_at	12677,12678,12679,12680,12681,12682,12683,12684,12685,12686,12687	36738 PHYHIP; フィタノイル-
CoA ヒドロキシラーゼ 相互作用タンパク質		
205329_s_at	12688,12689,12690,12691,12692,12693,12694,12695,12696,12697,12698	36739 SNX4; 選別ネキシン
4		
205331_s_at	12699,12700,12701,12702,12703,12704,12705,12706,1	

2707,12708,12709 オープンリーディングフレーム 19	36740	C5orf19; 染色体 5
205341_at 18,12719,12720	12710,12711,12712,12713,12714,12715,12716,12717,12718,12719,12720 36741	
205347_s_at 2729,12730,12731 β, 神経芽腫細胞で同定	12721,12722,12723,12724,12725,12726,12727,12728,12729,12730,12731 36742	TMSNB; サイモシン,
205348_s_at 2740,12741,12742 胞質, 中間体ポリペプチド1	12732,12733,12734,12735,12736,12737,12738,12739,12740,12741,12742 36743	DNCI1; ダイニン, 細
205353_s_at 2751,12752,12753 パク質	12743,12744,12745,12746,12747,12748,12749,12750,12751,12752,12753 36744	PBP; 前立腺結合タン
205357_s_at 2762,12763,12764 シン II レセプター, 1型	12754,12755,12756,12757,12758,12759,12760,12761,12762,12763,12764 36745	AGTR1; アンギオテン
205364_at 73,12774,12775 A オキシダーゼ 2, 分枝鎖	12765,12766,12767,12768,12769,12770,12771,12772,12773,12774,12775 36746	ACOX2; アシル-補酵素
205382_s_at 2784,12785,12786 ジブシン)	12776,12777,12778,12779,12780,12781,12782,12783,12784,12785,12786 36747	DF; 補体のD成分(ア
205383_s_at 2795,12796,12797 ンガーおよびBTBドメイン含有20	12787,12788,12789,12790,12791,12792,12793,12794,12795,12796,12797 36748	ZBTB20; ジンクフィ
205384_at 06,12807,12808 有イオン輸送調節因子 1 (ホスホラマン)	12798,12799,12800,12801,12802,12803,12804,12805,12806,12807,12808 36749	FXD1; FXDドメイン含
205404_at 17,12818,12819 テロイド (11-β)デヒドロゲナーゼ 1	12809,12810,12811,12812,12813,12814,12815,12816,12817,12818,12819 36750	HSD11B1; ヒドロキシス
205405_at 28,12829,12830 7回トロンボスポンジン反復(1型および1型様), 膜貫通ドメイン (TM)および短細胞質ドメイン, (セマホリン)5A	12820,12821,12822,12823,12824,12825,12826,12827,12828,12829,12830 36751	SEMA5A; semaドメイン,
205407_at 39,12840,12841 有する復帰変異誘発-システインリッチタンパク質	12831,12832,12833,12834,12835,12836,12837,12838,12839,12840,12841 36752	RECK; kazalモチーフを
205412_at 50,12851,12852 素 A アセチルトランスフェラーゼ1 (アセトアセチル 補酵素 A チオラーゼ)	12842,12843,12844,12845,12846,12847,12848,12849,12850,12851,12852 36753	ACAT1; アセチル-補酵
205430_at 61,12862,12863 質 5	12853,12854,12855,12856,12857,12858,12859,12860,12861,12862,12863 36754	BMP5; 骨形成タンパク
205431_s_at 2872,12873,12874 ク質 5	12864,12865,12866,12867,12868,12869,12870,12871,12872,12873,12874 36755	BMP5; 骨形成 タンパ
205433_at 83,12884,12885 ステラーゼ	12875,12876,12877,12878,12879,12880,12881,12882,12883,12884,12885 36756	BCHE; butyrylコリンエ

205438_at	12886,12887,12888,12889,12890,12891,12892,12893,12894,12895,12896	36757	PTPN21; タンパク質 チロシン ホスファターゼ, 非レセプター 21型
205449_at	12897,12898,12899,12900,12901,12902,12903,12904,12905,12906,12907	36758	SHD1; マウス Sac3 ホモロジードメイン1のオルソログに類似 (S. cerevisiae)
205453_at	12908,12909,12910,12911,12912,12913,12914,12915,12916,12917,12918	36759	HOXB2; ホメオボックス B2
205456_at	12919,12920,12921,12922,12923,12924,12925,12926,12927,12928,12929	36760	CD3E; CD3E抗原, ε ポリペプチド (TiT3複合体)
205470_s_at	12930,12931,12932,12933,12934,12935,12936,12937,12938,12939,12940	36761	KLK11; カリクレイン 11
205475_at	12941,12942,12943,12944,12945,12946,12947,12948,12949,12950,12951	36762	SCRG1; スクラビー応答性タンパク質 1
205480_s_at	12952,12953,12954,12955,12956,12957,12958,12959,12960,12961,12962	36763	UGP2; UDP-グルコースピロホスホリラーゼ 2
205482_x_at	12963,12964,12965,12966,12967,12968,12969,12970,12971,12972,12973	36764	SNX15; 選別ネキシン 15
205486_at	12974,12975,12976,12977,12978,12979,12980,12981,12982,12983,12984	36765	TESK2; 精巣特異的 キナーゼ 2
205489_at	12985,12986,12987,12988,12989,12990,12991,12992,12993,12994,12995	36766	CRYM; クリスタリン, μ
205498_at	12996,12997,12998,12999,13000,13001,13002,13003,13004,13005,13006	36767	GHR; 成長ホルモンレセプター
205505_at	13007,13008,13009,13010,13011,13012,13013,13014,13015,13016,13017	36768	GCNT1; グルコサミニル (N-アセチル) トランスフェラーゼ1, コア 2 (β-1,6-N-アセチルグルコサミニルトランスフェラーゼ)
205512_s_at	13018,13019,13020,13021,13022,13023,13024,13025,13026,13027,13028	36769	PDCD8; プログラム細胞死8 (アポトーシス誘導因子)
205542_at	13029,13030,13031,13032,13033,13034,13035,13036,13037,13038,13039	36770	STEAP; 前立腺の6回膜貫通 上皮抗原
205547_s_at	13040,13041,13042,13043,13044,13045,13046,13047,13048,13049,13050	36771	TAGLN; トランスゲリン
205548_s_at	13051,13052,13053,13054,13055,13056,13057,13058,13059,13060,13061	36772	BTG3; BTGファミリー, メンバー3
205564_at	13062,13063,13064,13065,13066,13067,13068,13069,13070		

70,13071,13072 リー C, 1	36773	GAGEC1; G抗原, ファミ
205566_at 81,13082,13083 ドメイン含有2	13073,13074,13075,13076,13077,13078,13079,13080,130 36774	ABHD2; abヒドロラーゼ
205573_s_at 3092,13093,13094 7	13084,13085,13086,13087,13088,13089,13090,13091,1 36775	SNX7; 選別ネキシン
205575_at 03,13104,13105 小成分様 1	13095,13096,13097,13098,13099,13100,13101,13102,131 36776	C1QL1; 補体成分 1, q
205578_at 14,13115,13116 シン キナーゼ様オーファンレセプター 2	13106,13107,13108,13109,13110,13111,13112,13113,131 36777	ROR2; レセプター チロ
205593_s_at 3125,13126,13127 テラーゼ 9A	13117,13118,13119,13120,13121,13122,13123,13124,1 36778	PDE9A; ホスホジエス
205597_at 36,13137,13138 オープンリーディングフレーム 29	13128,13129,13130,13131,13132,13133,13134,13135,131 36779	C6orf29; 染色体 6 オ
205608_s_at 3147,13148,13149 エチン 1	13139,13140,13141,13142,13143,13144,13145,13146,1 36780	ANGPT1; アンギオボ
205611_at 58,13159,13160 子 (リガンド スーパーファミリー, メンバー12	13150,13151,13152,13153,13154,13155,13156,13157,131 36781	TNFSF12; 腫瘍 壊死因
205620_at 69,13170,13171 205624_at 80,13181,13182 チダーゼ A3 (肥満細胞)	13161,13162,13163,13164,13165,13166,13167,13168,131 36782	F10; 凝固因子 X
205645_at 91,13192,13193 ドメイン含有2	13172,13173,13174,13175,13176,13177,13178,13179,131 36783	CPA3; カルボキシペプ
205648_at 02,13203,13204 MMTV統合部位ファミリー メンバー2	13183,13184,13185,13186,13187,13188,13189,13190,131 36784	REPS2; RALBP1関連 Eps
205657_at 13,13214,13215 hranilate 3,4-ジオキシゲナーゼ	13194,13195,13196,13197,13198,13199,13200,13201,132 36785	WNT2; ウイングレス型
205661_s_at 3224,13225,13226 ーゼ	13205,13206,13207,13208,13209,13210,13211,13212,132 36786	HAAO; 3-ヒドロキシant
205683_x_at 3235,13236,13237 ゼ α / β 1	13216,13217,13218,13219,13220,13221,13222,13223,1 36787	PP591; FAD- シンテタ
205687_at 46,13247,13248 タンパク質に類似	13227,13228,13229,13230,13231,13232,13233,13234,1 36788	TPSAB1; トリプター
205698_s_at	13238,13239,13240,13241,13242,13243,13244,13245,132 36789	UBPH; ユビキチン 結合
	13249,13250,13251,13252,13253,13254,13255,13256,1	

3257,13258,13259	36790	MAP2K6; マイトジェン活性化 タンパク質 キナーゼ キナーゼ 6
205708_s_at	13260,13261,13262,13263,13264,13265,13266,13267,13268,13269,13270	36791 TRPM2; 一過性レセプター 潜在的カチオンチャネル, サブファミリー M, メンバー2
205709_s_at	13271,13272,13273,13274,13275,13276,13277,13278,13279,13280,13281	36792 CDS1; CDP-di アシルグリセロール シンターゼ (ホスファチジン酸シチジリルトランスフェラーゼ) 1
205711_x_at	13282,13283,13284,13285,13286,13287,13288,13289,13290,13291,13292	36793 ATP5C1; ATP シンターゼ, H ⁺ 輸送, ミトコンドリア F1複合体, γ ポリペプチド 1
205715_at	13293,13294,13295,13296,13297,13298,13299,13300,13301,13302,13303	36794 BST1; 骨髄間質細胞抗原 1
205730_s_at	13304,13305,13306,13307,13308,13309,13310,13311,13312,13313,13314	36795 ABLIM3; アクチン 結合LIM タンパク質ファミリー, メンバー3
205741_s_at	13315,13316,13317,13318,13319,13320,13321,13322,13323,13324,13325	36796 DTNA; ジストロブレビン, α
205743_at	13326,13327,13328,13329,13330,13331,13332,13333,13334,13335,13336	36797 STAC; SH3およびシステムイン リッチドメイン
205752_s_at	13337,13338,13339,13340,13341,13342,13343,13344,13345,13346,13347	36798 GSTM5; グルタチオン S-トランスフェラーゼ M5
205769_at	13348,13349,13350,13351,13352,13353,13354,13355,13356,13357,13358	36799 SLC27A2; 溶質キャリアファミリー 27(脂肪酸 トランスポーター), メンバー2
205776_at	13359,13360,13361,13362,13363,13364,13365,13366,13367,13368,13369	36800 FM05; フラビン含有モノオキシゲナーゼ5
205780_at	13370,13371,13372,13373,13374,13375,13376,13377,13378,13379,13380	36801 BIK; BCL2-相互作用キラー (アポトーシス誘導性)
205782_at	13381,13382,13383,13384,13385,13386,13387,13388,13389,13390,13391	36802 FGF7; 線維芽細胞成長因子 7 (ケラチノサイト成長因子)
205792_at	13392,13393,13394,13395,13396,13397,13398,13399,13400,13401,13402	36803 WISP2; WNT1 誘導性シグナル伝達経路タンパク質 2
205803_s_at	13403,13404,13405,13406,13407,13408,13409,13410,13411,13412,13413	36804 TRPC1; 一過性レセプター 潜在的カチオンチャネル, サブファミリー C, メンバー1
205805_s_at	13414,13415,13416,13417,13418,13419,13420,13421,13422,13423,13424	36805 ROR1; レセプター チロシン キナーゼ様 オーフアンレセプター 1
205824_at	13425,13426,13427,13428,13429,13430,13431,13432,13433,13434,13435	36806 HSPB2; ヒートショック 27kDa タンパク質2

205827_at	13436,13437,13438,13439,13440,13441,13442,13443,13444,13445,13446	36807	CCK; コレシストキニン
205864_at	13447,13448,13449,13450,13451,13452,13453,13454,13455,13456,13457	36808	SLC7A4; 溶質キャリア
ファミリー 7 (カチオン性アミノ酸トランスポーター, y+系), メンバー4			
205870_at	13458,13459,13460,13461,13462,13463,13464,13465,13466,13467,13468	36809	BDKRB2; ブラジキニン
レセプター B2			
205875_s_at	13469,13470,13471,13472,13473,13474,13475,13476,13477,13478,13479	36810	TREX1; 3'修復エキソ
ヌクレアーゼ 1			
205882_x_at	13480,13481,13482,13483,13484,13485,13486,13487,13488,13489,13490	36811	ADD3; アデュージン
3 (γ)			
205895_s_at	13491,13492,13493,13494,13495,13496,13497,13498,13499,13500,13501	36812	NOLC1; 核小体および
コイルド体リントタンパク質 1			
205918_at	13502,13503,13504,13505,13506,13507,13508,13509,13510,13511,13512	36813	SLC4A3; 溶質キャリア
ファミリー 4, アニオン交換体, メンバー3			
205934_at	13513,13514,13515,13516,13517,13518,13519,13520,13521,13522,13523	36814	PLCL1; ホスホリパーゼ
C様 1			
205935_at	13524,13525,13526,13527,13528,13529,13530,13531,13532,13533,13534	36815	FOXF1; フォークヘッド
ボックス F1			
205937_at	13535,13536,13537,13538,13539,13540,13541,13542,13543,13544,13545	36816	CGREF1; EF ハンドドメ
イン 1を有する細胞成長調節因子			
205942_s_at	13546,13547,13548,13549,13550,13551,13552,13553,13554,13555,13556	36817	SAH; SA 高血圧関連
ホモログ(rat)			
205961_s_at	13557,13558,13559,13560,13561,13562,13563,13564,13565,13566,13567	36818	PSIP1; PC4およびSFR
S1 相互作用 タンパク質 1			
205963_s_at	13568,13569,13570,13571,13572,13573,13574,13575,13576,13577,13578	36819	DNAJA3; DnaJ (Hsp40)
) ホモログ, サブファミリーA, メンバー3			
205980_s_at	13579,13580,13581,13582,13583,13584,13585,13586,13587,13588,13589	36820	ARHGAP8; Rho GTPase
活性化タンパク質8			
205988_at	13590,13591,13592,13593,13594,13595,13596,13597,13598,13599,13600	36821	CD84; CD84抗原 (白血球抗原)
206009_at	13601,13602,13603,13604,13605,13606,13607,13608,13609,13610,13611	36822	ITGA9; インテグリン,
α 9			
206030_at	13612,13613,13614,13615,13616,13617,13618,13619,13620,13621,13622	36823	ASPA; アスパルトアシラーゼ (アミノアシラーゼ2, Canavan病)

206042_x_at	13623,13624,13625,13626,13627,13628,13629,13630,13631,13632,13633	36824	SNURF /// SNRPN; SN RPN 上流 リーディングフレーム; 小型核リボヌクレオタンパク質 ポリペプチド N
206050_s_at	13634,13635,13636,13637,13638,13639,13640,13641,13642,13643,13644	36825	RNH; リボヌクレアーゼ/アンジオゲニンインヒビター
206053_at	13645,13646,13647,13648,13649,13650,13651,13652,13653,13654,13655	36826	ZNF510; ジンクフィン
206055_s_at	13656,13657,13658,13659,13660,13661,13662,13663,13664,13665,13666	36827	SNRPA1; 小型核リボヌクレオタンパク質 ポリペプチド A'
206057_x_at	13667,13668,13669,13670,13671,13672,13673,13674,13675,13676,13677	36828	SPN; シアロホリン (gpL115, ロイコシラニン, CD43)
206065_s_at	13678,13679,13680,13681,13682,13683,13684,13685,13686,13687,13688	36829	DPYS; ジヒドロピリミジナーゼ
206066_s_at	13689,13690,13691,13692,13693,13694,13695,13696,13697,13698,13699	36830	RAD51C; RAD51 ホモログ C (<i>S.cerevisiae</i>)
206070_s_at	13700,13701,13702,13703,13704,13705,13706,13707,13708,13709,13710	36831	EPHA3; EPH レセプター A3
206075_s_at	13711,13712,13713,13714,13715,13716,13717,13718,13719,13720,13721	36832	CSENK2A1; カゼインキナーゼ 2, $\alpha 1$ ポリペプチド
206076_at	13722,13723,13724,13725,13726,13727,13728,13729,13730,13731,13732	36833	B7; B7遺伝子
206099_at	13733,13734,13735,13736,13737,13738,13739,13740,13741,13742,13743	36834	PRKCH; タンパク質 キナーゼ C, η
206103_at	13744,13745,13746,13747,13748,13749,13750,13751,13752,13753,13754	36835	RAC3; ras関連 C3 ボツリヌス毒素 基質3 (rhoファミリー, 小型GTP 結合タンパク質 Rac3)
206106_at	13755,13756,13757,13758,13759,13760,13761,13762,13763,13764,13765	36836	MAPK12; マイトジェン活性化 タンパク質 キナーゼ 12
206110_at	13766,13767,13768,13769,13770,13771,13772,13773,13774,13775,13776	36837	HIST1H3H; ヒストン 1, H3h
206113_s_at	13777,13778,13779,13780,13781,13782,13783,13784,13785,13786,13787	36838	RAB5A; RAB5A, メンバー-RAS オンコジーンファミリー
206115_at	13788,13789,13790,13791,13792,13793,13794,13795,13796,13797,13798	36839	EGR3; 早期成長応答 3
206116_s_at	13799,13800,13801,13802,13803,13804,13805,13806,13807,13808,13809	36840	TPM1; トロポミオシン 1 (α)
206117_at	13810,13811,13812,13813,13814,13815,13816,13817,13818		

18,13819,13820 1 (α)	36841	TPM1; トロポミオシン
206158_s_at 3829,13830,13831 ガータンパク質 9(細胞レトロウイルス核酸結合タンパク質)	13821,13822,13823,13824,13825,13826,13827,13828,1 36842	ZNF9; ジンクフィン
206173_x_at 3840,13841,13842 パク質 転写因子, β サブユニット 2, 47kDa	13832,13833,13834,13835,13836,13837,13838,13839,1 36843	GABPB2; GA 結合タン
206216_at 51,13852,13853 ニン キナーゼ23	13843,13844,13845,13846,13847,13848,13849,13850,138 36844	STK23; セリン/スレオ
206284_x_at 3862,13863,13864 軽ポリペプチド(Lcb)	13854,13855,13856,13857,13858,13859,13860,13861,1 36845	CLTB; クラスリン,
206302_s_at 3873,13874,13875 レオシド ニリン酸結合部分 X)-型モチーフ 4	13865,13866,13867,13868,13869,13870,13871,13872,1 36846	NUDT4; nudix (ヌク
206303_s_at 3884,13885,13886 レオシド ニリン酸 連結部分X)-型モチーフ 4	13876,13877,13878,13879,13880,13881,13882,13883,1 36847	NUDT4; nudix (ヌク
206332_s_at 3895,13896,13897 ロン, γ 誘導性 タンパク質16	13887,13888,13889,13890,13891,13892,13893,13894,1 36848	IFI16; インターフェ
206342_x_at 3906,13907,13908 -スルファターゼ(Hunter症候群)	13898,13899,13900,13901,13902,13903,13904,13905,1 36849	IDS; イズロネート 2
206351_s_at 3917,13918,13919 ーム生物発生因子10	13909,13910,13911,13912,13913,13914,13915,13916,1 36850	PEX10; ペルオキシソ
206352_s_at 3928,13929,13930 ーム生物発生因子10	13920,13921,13922,13923,13924,13925,13926,13927,1 36851	PEX10; ペルオキシソ
206375_s_at 3939,13940,13941 ク 27kDa タンパク質3	13931,13932,13933,13934,13935,13936,13937,13938,1 36852	HSPB3; ヒートショック
206377_at 50,13951,13952 ボックス F2	13942,13943,13944,13945,13946,13947,13948,13949,139 36853	FOXF2; フォークヘッド
206382_s_at 3961,13962,13963 養性因子	13953,13954,13955,13956,13957,13958,13959,13960,1 36854	BDNF; 脳由来 神経栄
206383_s_at 3972,13973,13974 活性化タンパク質SH3ドメイン-結合タンパク質 2	13964,13965,13966,13967,13968,13969,13970,13971,1 36855	G3BP2; Ras-GTPase
206385_s_at 3983,13984,13985 Ranvierのノード(アンキリン G)	13975,13976,13977,13978,13979,13980,13981,13982,1 36856	ANK3; アンキリン 3,
206396_at 94,13995,13996 ファミリー 1 (ニューロン/上皮高親和性グルタミン酸トランスポーター, Xag系), メン	13986,13987,13988,13989,13990,13991,13992,13993,139 36857	SLC1A1; 溶質キャリア

バー1		
206401_s_at	13997,13998,13999,14000,14001,14002,14003,14004,1	
4005,14006,14007	36858	MAPT; 微小管関連 タ
ンパク質 τ		
206403_at	14008,14009,14010,14011,14012,14013,14014,14015,140	
16,14017,14018	36859	ZNF536; ジンクフィン
ガータンパク質536		
206429_at	14019,14020,14021,14022,14023,14024,14025,14026,140	
27,14028,14029	36860	F2RL1; 凝固因子 II (
トロンビン) レセプター様1		
206433_s_at	14030,14031,14032,14033,14034,14035,14036,14037,1	
4038,14039,14040	36861	SPOCK3; sparc/オス
テオネクチン,cwcvおよびkazal様ドメインプロテオグリカン (テストイカン) 3		
206434_at	14041,14042,14043,14044,14045,14046,14047,14048,140	
49,14050,14051	36862	SPOCK3; sparc/オステ
オネクチン,cwcvおよびkazal様ドメインプロテオグリカン (テストイカン) 3		
206445_s_at	14052,14053,14054,14055,14056,14057,14058,14059,1	
4060,14061,14062	36863	HRMT1L2; HMT1 hnRNP
メチルトランスフェラーゼ様2 (S. cerevisiae)		
206453_s_at	14063,14064,14065,14066,14067,14068,14069,14070,1	
4071,14072,14073	36864	NDRG2; NDRGファミリー
ーメンバー2		
206458_s_at	14074,14075,14076,14077,14078,14079,14080,14081,1	
4082,14083,14084	36865	WNT2B; ウイングレス
型 MMTV統合部位ファミリー,メンバー2B		
206459_s_at	14085,14086,14087,14088,14089,14090,14091,14092,1	
4093,14094,14095	36866	WNT2B; ウイングレス
型 MMTV統合部位ファミリー,メンバー2B		
206469_x_at	14096,14097,14098,14099,14100,14101,14102,14103,1	
4104,14105,14106	36867	AKR7A3; アルドーキ
トレダクターゼファミリー 7, メンバーA3 (アフマトキシシン アルデヒドレダクターゼ)		
206481_s_at	14107,14108,14109,14110,14111,14112,14113,14114,1	
4115,14116,14117	36868	LDB2; LIMドメイン
結合2		
206491_s_at	14118,14119,14120,14121,14122,14123,14124,14125,1	
4126,14127,14128	36869	NAPA;N-エチルマレ
イミド感受性因子付着タンパク質, α		
206502_s_at	14129,14130,14131,14132,14133,14134,14135,14136,1	
4137,14138,14139	36870	INSM1; インスリノー
マ関連 1		
206510_at	14140,14141,14142,14143,14144,14145,14146,14147,141	
48,14149,14150	36871	SIX2; サイン眼科医ホ
メオボックス ホモログ 2 (Drosophila)		
206518_s_at	14151,14152,14153,14154,14155,14156,14157,14158,1	
4159,14160,14161	36872	RGS9; G-タンパク質
シグナル伝達の調節因子 9		
206558_at	14162,14163,14164,14165,14166,14167,14168,14169,141	
70,14171,14172	36873	SIM2; 一意的 ホモログ
2(Drosophila)		
206562_s_at	14173,14174,14175,14176,14177,14178,14179,14180,1	

4181,14182,14183 キナーゼ 1, α 1	36874	CSNK1A1; カゼイン
206580_s_at	14184,14185,14186,14187,14188,14189,14190,14191,1	
4192,14193,14194 ィブリン様 細胞外マトリックス タンパク質 2	36875	EFEMP2; EGF 含有 フ
206631_at	14195,14196,14197,14198,14199,14200,14201,14202,142	
03,14204,14205 ンジン E レセプター2 (サブタイプ EP2), 53kDa	36876	PTGER2; プロスタグラ
206649_s_at	14206,14207,14208,14209,14210,14211,14212,14213,1	
4214,14215,14216 サー 3に対する転写因子結合	36877	TFE3; IGHMエンハン
206656_s_at	14217,14218,14219,14220,14221,14222,14223,14224,1	
4225,14226,14227 オープンリーディングフレーム 3	36878	C20orf3; 染色体 20
206666_at	14228,14229,14230,14231,14232,14233,14234,14235,142	
36,14237,14238 (セリン プロテアーゼ, グランザイム3; トリプターゼ II)	36879	GZMK; グランザイム K
206686_at	14239,14240,14241,14242,14243,14244,14245,14246,142	
47,14248,14249 ナーゼ キナーゼ, アイソザイム 1	36880	PDK1; 推定デヒドロゲ
206689_x_at	14250,14251,14252,14253,14254,14255,14256,14257,1	
4258,14259,14260 相互作用 タンパク質, 60kDa	36881	HTATIP; HIV-1 Tat
206701_x_at	14261,14262,14263,14264,14265,14266,14267,14268,1	
4269,14270,14271 レセプター B型	36882	EDNRB; エンドセリン
206764_x_at	14272,14273,14274,14275,14276,14277,14278,14279,1	
4280,14281,14282 エステラーゼ 1	36883	MPPE1; メタロホスホ
206813_at	14283,14284,14285,14286,14287,14288,14289,14290,142	
91,14292,14293	36884	CTF1; 心臓栄養性 1
206842_at	14294,14295,14296,14297,14298,14299,14300,14301,143	
02,14303,14304 依存型チャネル, Shal 関連 サブファミリー, メンバー1	36885	KCND1; カリウム 電位
206858_s_at	14305,14306,14307,14308,14309,14310,14311,14312,1	
4313,14314,14315 ス C6	36886	H0XC6; ホメオボックス
206868_at	14316,14317,14318,14319,14320,14321,14322,14323,143	
24,14325,14326 含有8	36887	STARD8; STARTドメイン
206874_s_at	14327,14328,14329,14330,14331,14332,14333,14334,1	
4335,14336,14337	36888	
206932_at	14338,14339,14340,14341,14342,14343,14344,14345,143	
46,14347,14348 25-ヒドロキシラーゼ	36889	CH25H; コレステロール
206938_at	14349,14350,14351,14352,14353,14354,14355,14356,143	
57,14358,14359 α -レダクターゼ, α ポリペプチド 2 (3-オキシ-5 α -ステロイド δ 4-デヒドロゲナーゼ α 2)	36890	SRD5A2; ステロイド-5-
206949_s_at	14360,14361,14362,14363,14364,14365,14366,14367,1	

4368,14369,14370 ドメイン含有1	36891	RUSC1; RUNおよびSH3
207001_x_at 4379,14380,14381 タンパク質, 免疫反応体	14371,14372,14373,14374,14375,14376,14377,14378,1 36892	DSIPI; δ 睡眠誘導
207016_s_at 4390,14391,14392 デヒドロゲナーゼ1ファミリー, メンバーA2	14382,14383,14384,14385,14386,14387,14388,14389,1 36893	ALDH1A2; アルデヒド
207023_x_at 4401,14402,14403 (表皮剥離性角質増殖症; 手掌足底角化症)	14393,14394,14395,14396,14397,14398,14399,14400,1 36894	KRT10; ケラチン 10
207063_at 12,14413,14414 オープンリーディングフレーム 14	14404,14405,14406,14407,14408,14409,14410,14411,144 36895	CYorf14; 染色体 Y オ
207071_s_at 4423,14424,14425 1, 可溶性	14415,14416,14417,14418,14419,14420,14421,14422,1 36896	AC01; アコニターゼ
207088_s_at 4434,14435,14436 リアファミリー25 (ミトコンドリアキャリア; オキシグルタル酸キャリア), メンバー11	14426,14427,14428,14429,14430,14431,14432,14433,1 36897	SLC25A11; 溶質キャ
207118_s_at 4445,14446,14447 マトリックスメタロプロテイナーゼ 23B; マトリックスメタロプロテイナーゼ 23A	14437,14438,14439,14440,14441,14442,14443,14444,1 36898	MMP23B /// MMP23A;
207121_s_at 4456,14457,14458 活性化 タンパク質 キナーゼ 6	14448,14449,14450,14451,14452,14453,14454,14455,1 36899	MAPK6; マイトジェン
207124_s_at 4467,14468,14469 レオチド 結合タンパク質 (G タンパク質), β 5	14459,14460,14461,14462,14463,14464,14465,14466,1 36900	GNB5; グアニンヌク
207134_x_at 4478,14479,14480 ターゼ β 2	14470,14471,14472,14473,14474,14475,14476,14477,1 36901,36902	TPSB2; トリプ
207157_s_at 4489,14490,14491 レオチド 結合タンパク質 (G タンパク質), γ 5	14481,14482,14483,14484,14485,14486,14487,14488,1 36903	GNG5; グアニンヌク
207168_s_at 4500,14501,14502 ファミリー, メンバーY	14492,14493,14494,14495,14496,14497,14498,14499,1 36904	H2AFY; H2A ヒストン
207172_s_at 4511,14512,14513 1, 2型, OB-カドヘリン(骨芽細胞)	14503,14504,14505,14506,14507,14508,14509,14510,1 36905	CDH11; カドヘリン 1
207191_s_at 4522,14523,14524 ンスーパーファミリー含有ロイシンリッチ反復	14514,14515,14516,14517,14518,14519,14520,14521,1 36906	ISLR; 免疫グロブリ
207227_x_at 4533,14534,14535 ータンパク質様 2	14525,14526,14527,14528,14529,14530,14531,14532,1 36907	RFPL2; retフィンガ
207260_at 44,14545,14546 ジーンファミリー)	14536,14537,14538,14539,14540,14541,14542,14543,145 36908	FEV; FEV (ETS オンコ

207266_x_at	14547,14548,14549,14550,14551,14552,14553,14554,14555,14556,14557	36909	RBMS1; RNA結合モチーフ, 一本鎖相互作用タンパク質 1
207275_s_at	14558,14559,14560,14561,14562,14563,14564,14565,14566,14567,14568	36910	ACSL1; アシル-CoA シンテターゼ 長鎖ファミリー メンバー1
207302_at	14569,14570,14571,14572,14573,14574,14575,14576,14577,14578,14579	36911	SGCG; サルコグリカン, γ (35kDa ジストロフィン関連糖タンパク質)
207317_s_at	14580,14581,14582,14583,14584,14585,14586,14587,14588,14589,14590	36912	CASQ2; カルセケストリン 2 (心筋)
207348_s_at	14591,14592,14593,14594,14595,14596,14597,14598,14599,14600,14601	36913	LIG3; リガーゼ III, DNA, ATP依存性
207390_s_at	14602,14603,14604,14605,14606,14607,14608,14609,14610,14611,14612	36914	SMTN; スムーセリン
207414_s_at	14613,14614,14615,14616,14617,14618,14619,14620,14621,14622,14623	36915	PCSK6; proタンパク質 コンバーターゼ スブチリシン/ケキシニン型 6
207428_x_at	14624,14625,14626,14627,14628,14629,14630,14631,14632,14633,14634	36916,36917	CDC2L1; 細胞分裂周期 2様 1(PITSLRE タンパク質s)
207430_s_at	14635,14636,14637,14638,14639,14640,14641,14642,14643,14644,14645	36918	MSMB; ミクロセミノタンパク質, β -
207431_s_at	14646,14647,14648,14649,14650,14651,14652,14653,14654,14655,14656	36919	DEGS; 変性精母細胞ホモログ, 脂質不飽和化酵素(Drosophila)
207439_s_at	14657,14658,14659,14660,14661,14662,14663,14664,14665,14666,14667	36920	SLC35A2; 溶質キャリア アファミリー 35(UDP-ガラクトース トランスポーター), メンバーA2
207453_s_at	14668,14669,14670,14671,14672,14673,14674,14675,14676,14677,14678	36921	DNAJB5; DnaJ (Hsp40) ホモログ, サブファミリーB, メンバー5
207480_s_at	14679,14680,14681,14682,14683,14684,14685,14686,14687,14688,14689	36922	MEIS2; Meis1, 骨髄エクトロピックウイルス統合部位 1 ホモログ 2 (マウス)
207507_s_at	14690,14691,14692,14693,14694,14695,14696,14697,14698,14699,14700	36923	ATP5G3; ATP シンターゼ, H ⁺ 輸送, ミトコンドリア F0複合体, サブユニット c (サブユニット 9) アイソフォーム 3
207508_at	14701,14702,14703,14704,14705,14706,14707,14708,14709,14710,14711	36924	ATP5G3; ATP シンターゼ, H ⁺ 輸送, ミトコンドリア F0複合体, サブユニット c (サブユニット 9) アイソフォーム 3
207542_s_at	14712,14713,14714,14715,14716,14717,14718,14719,14720,14721,14722	36925	AQP1; アクアポリン 1 (チャネル形成内在性タンパク質, 28kDa)
207547_s_at	14723,14724,14725,14726,14727,14728,14729,14730,14731		

4731,14732,14733 質	36926	TU3A; TU3A タンパク
207549_x_at	14734,14735,14736,14737,14738,14739,14740,14741,1	
4742,14743,14744	36927	MCP; 膜補因子 タン
パク質(CD46, トロホブラスト-リンパ球 cross-reactive抗原)		
207563_s_at	14745,14746,14747,14748,14749,14750,14751,14752,1	
4753,14754,14755	36928	OGT; O結合 N-アセチ
ルグルコサミン(GlcNAc) トランスフェラーゼ (UDP-N-アセチルグルコサミン:ポリペプ		
チド-N-アセチルグルコサミニルトランスフェラーゼ)		
207618_s_at	14756,14757,14758,14759,14760,14761,14762,14763,1	
4764,14765,14766	36929	BCS1L; BCS1様 (酵
母)		
207629_s_at	14767,14768,14769,14770,14771,14772,14773,14774,1	
4775,14776,14777	36930	ARHGEF2; rho/rac グ
アニンヌクレオチド 交換因子 (GEF) 2		
207630_s_at	14778,14779,14780,14781,14782,14783,14784,14785,1	
4786,14787,14788	36931	CREM; cAMP応答エレ
メント調節因子		
207648_at	14789,14790,14791,14792,14793,14794,14795,14796,147	
97,14798,14799	36932	DRP2; ジストロフィン
関連 タンパク質2		
207654_x_at	14800,14801,14802,14803,14804,14805,14806,14807,1	
4808,14809,14810	36933	DR1; 転写 1のダウン
レギュレーター,TBP結合 (陰性補因子 2)		
207691_x_at	14811,14812,14813,14814,14815,14816,14817,14818,1	
4819,14820,14821	36934	ENTPD1; エクトヌク
レオシド トリホスフェート ジホスホヒドロラーゼ 1		
207707_s_at	14822,14823,14824,14825,14826,14827,14828,14829,1	
4830,14831,14832	36935	SEC13L1; SEC13様 1
(S. cerevisiae)		
207721_x_at	14833,14834,14835,14836,14837,14838,14839,14840,1	
4841,14842,14843	36936	HINT1; ヒスチジン三
連ヌクレオチド 結合タンパク質 1		
207722_s_at	14844,14845,14846,14847,14848,14849,14850,14851,1	
4852,14853,14854	36937	BTBD2; BTB (POZ)ド
メイン含有2		
207738_s_at	14855,14856,14857,14858,14859,14860,14861,14862,1	
4863,14864,14865	36938	NCKAP1; NCK関連 タ
ンパク質 1		
207761_s_at	14866,14867,14868,14869,14870,14871,14872,14873,1	
4874,14875,14876	36939	DKFZP586A0522; DKFZ
P586A0522 タンパク質		
207782_s_at	14877,14878,14879,14880,14881,14882,14883,14884,1	
4885,14886,14887	36940	PSEN1; プレセニリン
1 (アルツハイマー病3)		
207802_at	14888,14889,14890,14891,14892,14893,14894,14895,148	
96,14897,14898	36941	CRISP3; システインリ
ッチ 分泌タンパク質 3		
207805_s_at	14899,14900,14901,14902,14903,14904,14905,14906,1	
4907,14908,14909	36942	PSMD9; プロテアソー

ム (プロソーム, マクロペイン) 26S サブユニット, 非ATPase, 9		
207808_s_at	14910,14911,14912,14913,14914,14915,14916,14917,1	
4918,14919,14920	36943	PROS1; タンパク質 S
(α)		
207821_s_at	14921,14922,14923,14924,14925,14926,14927,14928,1	
4929,14930,14931	36944	PTK2; PTK2 タンパク
質 チロシン キナーゼ 2		
207824_s_at	14932,14933,14934,14935,14936,14937,14938,14939,1	
4940,14941,14942	36945	MAZ; MYC関連 ジンク
フィンガータンパク質 (プリン結合 転写因子)		
207834_at	14943,14944,14945,14946,14947,14948,14949,14950,149	
51,14952,14953	36946	FBLN1; フィブリン 1
207836_s_at	14954,14955,14956,14957,14958,14959,14960,14961,1	
4962,14963,14964	36947	RBPM5; マルチスプラ
イシングを有するRNA結合タンパク質		
207838_x_at	14965,14966,14967,14968,14969,14970,14971,14972,1	
4973,14974,14975	36948	PBXIP1; プレB細胞白
血病 転写因子 相互作用 タンパク質 1		
207839_s_at	14976,14977,14978,14979,14980,14981,14982,14983,1	
4984,14985,14986	36949	C9orf127; 染色体 9
オープンリーディングフレーム 127		
207842_s_at	14987,14988,14989,14990,14991,14992,14993,14994,1	
4995,14996,14997	36950	CASC3; 癌感受性候補
3		
207843_x_at	14998,14999,15000,15001,15002,15003,15004,15005,1	
5006,15007,15008	36951	CYB5; シトクロム b-
5		
207876_s_at	15009,15010,15011,15012,15013,15014,15015,15016,1	
5017,15018,15019	36952	FLNC; フィラミン C,
γ (アクチン 結合タンパク質280)		
207936_x_at	15020,15021,15022,15023,15024,15025,15026,15027,1	
5028,15029,15030	36953	RFPL3; retフィンガ
ータンパク質様 3		
207949_s_at	15031,15032,15033,15034,15035,15036,15037,15038,1	
5039,15040,15041	36954	ICA1; 島細胞自己抗
原 1,69kDa		
207957_s_at	15042,15043,15044,15045,15046,15047,15048,15049,1	
5050,15051,15052	36955	PRKCB1; タンパク質
キナーゼ C, β 1		
207961_x_at	15053,15054,15055,15056,15057,15058,15059,15060,1	
5061,15062,15063	36956	MYH11; ミオシン, 重
ポリペプチド11, 平滑筋		
207977_s_at	15064,15065,15066,15067,15068,15069,15070,15071,1	
5072,15073,15074	36957	DPT; デルマトポンチ
ン		
207980_s_at	15075,15076,15077,15078,15079,15080,15081,15082,1	
5083,15084,15085	36958	CITED2; , with Glu/
Aspリッチ カルボキシ末端ドメインを有するCbp/p300-相互作用トランス活性化因子, 2		
207984_s_at	15086,15087,15088,15089,15090,15091,15092,15093,1	
5094,15095,15096	36959	MPP2; 膜タンパク質,

パルミトイル化2(MAGUK p55 サブファミリー メンバー2)		
207998_s_at	15097,15098,15099,15100,15101,15102,15103,15104,1	
5105,15106,15107	36960	CACNA1D; カルシウム
チャンネル, 電位依存性,L型, α 1D サブユニット		
208002_s_at	15108,15109,15110,15111,15112,15113,15114,15115,1	
5116,15117,15118	36961	BACH; 脳 アシル-CoA
ヒドロラーゼ		
208016_s_at	15119,15120,15121,15122,15123,15124,15125,15126,1	
5127,15128,15129	36962	AGTR1; アンジオテン
シン II レセプター,1型		
208024_s_at	15130,15131,15132,15133,15134,15135,15136,15137,1	
5138,15139,15140	36963	DGCR6L /// DGCR6; D
iGeorge症候群臨界領域遺伝子6様; DiGeorge症候群臨界領域遺伝子 6		
208029_s_at	15141,15142,15143,15144,15145,15146,15147,15148,1	
5149,15150,15151	36964	LAPTM4B; リソソーム
関連 タンパク質 膜貫通 4 β		
208030_s_at	15152,15153,15154,15155,15156,15157,15158,15159,1	
5160,15161,15162	36965	ADD1; アデュージン
1 (α)		
208074_s_at	15163,15164,15165,15166,15167,15168,15169,15170,1	
5171,15172,15173	36966	AP2S1; アダプター関
連 タンパク質複合体 2, σ 1 サブユニット		
208096_s_at	15174,15175,15176,15177,15178,15179,15180,15181,1	
5182,15183,15184	36967	COL21A1; コラーゲン
, XXI型, α 1		
208097_s_at	15185,15186,15187,15188,15189,15190,15191,15192,1	
5193,15194,15195	36968	TXNDC; チオレドキシ
ンドメイン含有		
208107_s_at	15196,15197,15198,15199,15200,15201,15202,15203,1	
5204,15205,15206	36969	LOC81691; エキソヌ
クレアーゼNEF-sp		
208112_x_at	15207,15208,15209,15210,15211,15212,15213,15214,1	
5215,15216,15217	36970	EHD1; EHドメイン含
有1		
208131_s_at	15218,15219,15220,15221,15222,15223,15224,15225,1	
5226,15227,15228	36971	PTGIS; プロスタグラ
ンジン I2 (プロスタサイクリン) シンターゼ		
208146_s_at	15229,15230,15231,15232,15233,15234,15235,15236,1	
5237,15238,15239	36972	CPVL; カルボキシペ
プチダーゼ, 卵黄形成様		
208158_s_at	15240,15241,15242,15243,15244,15245,15246,15247,1	
5248,15249,15250	36973	OSBPL1A; オキシステ
ロール 結合タンパク質様 1A		
208190_s_at	15251,15252,15253,15254,15255,15256,15257,15258,1	
5259,15260,15261	36974	LISCH7; 肝臓特異的
bHLH-Zip 転写因子		
208264_s_at	15262,15263,15264,15265,15266,15267,15268,15269,1	
5270,15271,15272	36975	EIF3S1; 真核生物翻
訳伸長因子 3, サブユニット1 α , 35kDa		
208290_s_at	15273,15274,15275,15276,15277,15278,15279,15280,1	

5281,15282,15283 伸長因子 5	36976	EIF5; 真核生物翻訳
208308_s_at	15284,15285,15286,15287,15288,15289,15290,15291,1	
5292,15293,15294 フェート イソメラーゼ	36977	GPI; グルコースホス
208310_s_at	15295,15296,15297,15298,15299,15300,15301,15302,1	
5303,15304,15305	36978	C7orf28B /// C7orf2
8A; 染色体 7 オープンリーディングフレーム28B; 染色体 7 オープンリーディングフレーム 28A		
208316_s_at	15306,15307,15308,15309,15310,15311,15312,15313,1	
5314,15315,15316 症候群	36979	OCRL; Loweの眼脳腎
208351_s_at	15317,15318,15319,15320,15321,15322,15323,15324,1	
5325,15326,15327 活性化 タンパク質 キナーゼ 1	36980	MAPK1; マイトジェン
208370_s_at	15328,15329,15330,15331,15332,15333,15334,15335,1	
5336,15337,15338 臨界領域遺伝子 1	36981	DSCR1; Down症候群
208405_s_at	15339,15340,15341,15342,15343,15344,15345,15346,1	
5347,15348,15349 サイアロムチン	36982	CD164; CD164抗原,
208415_x_at	15350,15351,15352,15353,15354,15355,15356,15357,1	
5358,15359,15360 ーのインヒビター,メンバー1	36983	ING1; 成長ファミリー
208430_s_at	15361,15362,15363,15364,15365,15366,15367,15368,1	
5369,15370,15371 ビン, α	36984	DTNA; ジストロブレ
208447_s_at	15372,15373,15374,15375,15376,15377,15378,15379,1	
5380,15381,15382 ル ピロホスフェート シンテターゼ 1	36985	PRPS1; ホスホリボシ
208451_s_at	15383,15384,15385,15386,15387,15388,15389,15390,1	
5391,15392,15393 補体成分 4A; 補体成分4B	36986,36987	C4A /// C4B;
208454_s_at	15394,15395,15396,15397,15398,15399,15400,15401,1	
5402,15403,15404 ン酸 カルボキシペプチダーゼ	36988	PGCP; 血漿グルタミ
208456_s_at	15405,15406,15407,15408,15409,15410,15411,15412,1	
5413,15414,15415 ルス (r-ras) オンコジーンホモログ2	36989	RRAS2; 関連RASウイ
208460_at	15416,15417,15418,15419,15420,15421,15422,15423,154	
24,15425,15426 クシオンタンパク質, α 7, 45kDa (コネキシン 45)	36990	GJA7; ギャップジャン
208490_x_at	15427,15428,15429,15430,15431,15432,15433,15434,1	
5435,15436,15437 1, H2bf	36991	HIST1H2BF; ヒストン
208491_s_at	15438,15439,15440,15441,15442,15443,15444,15445,1	
5446,15447,15448 ムターゼ 5	36992	PGM5; ホスホグルコ
208517_x_at	15449,15450,15451,15452,15453,15454,15455,15456,1	
5457,15458,15459	36993	BTF3; 塩基転写因子

3

208523_x_at	15460,15461,15462,15463,15464,15465,15466,15467,1	
5468,15469,15470	36994	HIST1H2BI; ヒストン
1, H2bi		
208527_x_at	15471,15472,15473,15474,15475,15476,15477,15478,1	
5479,15480,15481	36995	HIST1H2BE; ヒストン
1, H2be		
208535_x_at	15482,15483,15484,15485,15486,15487,15488,15489,1	
5490,15491,15492	36996	COL13A1; コラーゲン
, XIII型, α 1		
208546_x_at	15493,15494,15495,15496,15497,15498,15499,15500,1	
5501,15502,15503	36997	HIST1H2BH; ヒストン
1, H2bh		
208579_x_at	15504,15505,15506,15507,15508,15509,15510,15511,1	
5512,15513,15514	36998	H2BFS;H2B ヒストン
ファミリー, メンバーS		
208580_x_at	15515,15516,15517,15518,15519,15520,15521,15522,1	
5523,15524,15525	36999,37000	HIST1H4J ///
HIST1H4K; ヒストン1, H4j; ヒストン 1, H4k		
208583_x_at	15526,15527,15528,15529,15530,15531,15532,15533,1	
5534,15535,15536	37001	HIST1H2AJ; ヒストン
1, H2aj		
208591_s_at	15537,15538,15539,15540,15541,15542,15543,15544,1	
5545,15546,15547	37002	PDE3B; ホスホジエス
テラーゼ 3B,cGMP阻害性		
208598_s_at	15548,15549,15550,15551,15552,15553,15554,15555,1	
5556,15557,15558	37003	UREB1; 上流 調節性
エレメント結合タンパク質 1		
208611_s_at	15559,15560,15561,15562,15563,15564,15565,15566,1	
5567,15568,15569	37004	SPTAN1; スペクトリ
ン, α , 非赤血球1 (α -ホドリン)		
208613_s_at	15570,15571,15572,15573,15574,15575,15576,15577,1	
5578,15579,15580	37005	FLNB; フィラミン B,
β (アクチン 結合タンパク質278)		
208620_at	15581,15582,15583,15584,15585,15586,15587,15588,155	
89,15590,15591	37006	PCBP1; poly(rC) 結合
タンパク質 1		
208621_s_at	15592,15593,15594,15595,15596,15597,15598,15599,1	
5600,15601,15602	37007	VIL2; ビリン 2 (エ
ズリン)		
208622_s_at	15603,15604,15605,15606,15607,15608,15609,15610,1	
5611,15612,15613	37008	VIL2; ビリン2 (エズ
リン)		
208627_s_at	15614,15615,15616,15617,15618,15619,15620,15621,1	
5622,15623,15624	37009	NSEP1; ヌクレアーゼ
感受性エレメント結合タンパク質1		
208628_s_at	15625,15626,15627,15628,15629,15630,15631,15632,1	
5633,15634,15635	37010	NSEP1; ヌクレアーゼ
感受性エレメント結合タンパク質1		
208629_s_at	15636,15637,15638,15639,15640,15641,15642,15643,1	

5644,15645,15646	37011	HADHA; ヒドロキシアシル-補酵素 A デヒドロゲナーゼ/3-コトアシル-補酵素A チオラーゼ/エノイル-補酵素 A ヒドラターゼ (三官能性タンパク質), α サブユニット
208632_at	15647,15648,15649,15650,15651,15652,15653,15654,15655,15656,15657	37012 RNF10; リングフィンガー
タンパク質10		
208633_s_at	15658,15659,15660,15661,15662,15663,15664,15665,15666,15667,15668	37013 MACF1; 微小管-アクチン
架橋因子 1		
208636_at	15669,15670,15671,15672,15673,15674,15675,15676,15677,15678,15679	37014 ACTN1; アクチニン, α
1		
208637_x_at	15680,15681,15682,15683,15684,15685,15686,15687,15688,15689,15690	37015 ACTN1; アクチニン, α
α 1		
208642_s_at	15691,15692,15693,15694,15695,15696,15697,15698,15699,15700,15701	37016 XRCC5; チャイニーズハムスター細胞 5におけるX線修復補完欠損修復(二本鎖-切断再結合; Ku 自己抗原, 80kDa)
208649_s_at	15702,15703,15704,15705,15706,15707,15708,15709,15710,15711,15712	37017 VCP; バロシン含有タンパク質
208650_s_at	15713,15714,15715,15716,15717,15718,15719,15720,15721,15722,15723	37018 CD24; CD24抗原 (小細胞肺癌クラスター4抗原)
208651_x_at	15724,15725,15726,15727,15728,15729,15730,15731,15732,15733,15734	37019 CD24; CD24抗原 (小細胞肺癌クラスター4抗原)
208653_s_at	15735,15736,15737,15738,15739,15740,15741,15742,15743,15744,15745	37020 CD164; CD164抗原, シアロムチン
208654_s_at	15746,15747,15748,15749,15750,15751,15752,15753,15754,15755,15756	37021 CD164; CD164抗原, シアロムチン
208658_at	15757,15758,15759,15760,15761,15762,15763,15764,15765,15766,15767	37022 ERP70; タンパク質 ジスルフィドイソメラーゼ関連タンパク質 (カルイウム結合タンパク質, 腸関連)
208664_s_at	15768,15769,15770,15771,15772,15773,15774,15775,15776,15777,15778	37023 TTC3; テトラトリコペプチド繰り返しドメイン 3
208667_s_at	15779,15780,15781,15782,15783,15784,15785,15786,15787,15788,15789	37024 ST13; 腫瘍形成能 13の抑制 (結腸癌)(Hsp70 相互作用 タンパク質)
208669_s_at	15790,15791,15792,15793,15794,15795,15796,15797,15798,15799,15800	37025 CRI1; CREBBP/EP300
インヒビター 1		
208670_s_at	15801,15802,15803,15804,15805,15806,15807,15808,15809,15810,15811	37026 CRI1; CREBBP/EP300
インヒビター 1		
208675_s_at	15812,15813,15814,15815,15816,15817,15818,15819,15820	

5820,15821,15822	37027	DDOST; ドリチル-ジ
ホスホオリゴ糖-タンパク質グリコシルトランスフェラーゼ		
208676_s_at	15823,15824,15825,15826,15827,15828,15829,15830,1	
5831,15832,15833	37028	PA2G4; 増殖関連 2G4
, 38kDa		
208679_s_at	15834,15835,15836,15837,15838,15839,15840,15841,1	
5842,15843,15844	37029	ARPC2; アクチン関連
タンパク質 2/3複合体,サブユニット 2, 34kDa		
208680_at	15845,15846,15847,15848,15849,15850,15851,15852,158	
53,15854,15855	37030	PRDX1; ペルオキシレド
キシ 1		
208682_s_at	15856,15857,15858,15859,15860,15861,15862,15863,1	
5864,15865,15866	37031	MAGED2; 黒色腫抗原,
ファミリー D,2		
208684_at	15867,15868,15869,15870,15871,15872,15873,15874,158	
75,15876,15877	37032	COPA; コートマータン
パク質複合体, サブユニット α		
208687_x_at	15878,15879,15880,15881,15882,15883,15884,15885,1	
5886,15887,15888	37033	HSPA8; ヒートショック
ク 70kDa タンパク質8		
208693_s_at	15889,15890,15891,15892,15893,15894,15895,15896,1	
5897,15898,15899	37034	GARS; グリシル-tRNA
シンテターゼ		
208698_s_at	15900,15901,15902,15903,15904,15905,15906,15907,1	
5908,15909,15910	37035	NONO; 非POUドメイン
含有, オクタマー結合		
208699_x_at	15911,15912,15913,15914,15915,15916,15917,15918,1	
5919,15920,15921	37036	TKT; トランスケトラ
ーゼ(Wernicke-Korsakoff症候群)		
208700_s_at	15922,15923,15924,15925,15926,15927,15928,15929,1	
5930,15931,15932	37037	TKT; トランスケトラ
ーゼ(Wernicke-Korsakoff症候群)		
208702_x_at	15933,15934,15935,15936,15937,15938,15939,15940,1	
5941,15942,15943	37038	APLP2; アミロイド
β (A4) 前駆体様タンパク質 2		
208708_x_at	15944,15945,15946,15947,15948,15949,15950,15951,1	
5952,15953,15954	37039	EIF5; 真核生物翻訳
伸長因子 5		
208721_s_at	15955,15956,15957,15958,15959,15960,15961,15962,1	
5963,15964,15965	37040	ANAPC5; 後期促進複
合体 サブユニット5		
208722_s_at	15966,15967,15968,15969,15970,15971,15972,15973,1	
5974,15975,15976	37041	ANAPC5; 後期促進複
合体 サブユニット5		
208726_s_at	15977,15978,15979,15980,15981,15982,15983,15984,1	
5985,15986,15987	37042	EIF2S2; 真核生物翻
訳伸長因子 2, サブユニット2 β, 38kDa		
208734_x_at	15988,15989,15990,15991,15992,15993,15994,15995,1	
5996,15997,15998	37043	RAB2; RAB2, メンバ
ーRAS オンコジーンファミリー		

208737_at	15999,16000,16001,16002,16003,16004,16005,16006,16007,16008,16009	37044	ATP6V1G1; ATPase, H ⁺ 輸送, リソソーム13kDa, V1 サブユニット G アイソフォーム 1
208742_s_at	16010,16011,16012,16013,16014,16015,16016,16017,16018,16019,16020	37045	SAP18; sin3関連 ポリペプチド, 18kDa
208747_s_at	16021,16022,16023,16024,16025,16026,16027,16028,16029,16030,16031	37046	CIS; 補体成分 1, s 小成分
208749_x_at	16032,16033,16034,16035,16036,16037,16038,16039,16040,16041,16042	37047	FLOT1; フロチリン 1
208750_s_at	16043,16044,16045,16046,16047,16048,16049,16050,16051,16052,16053	37048	ARF1; ADPリボシル化因子 1
208751_at	16054,16055,16056,16057,16058,16059,16060,16061,16062,16063,16064	37049	NAPA; N-エチルマレイミド感受性因子付着タンパク質, α
208756_at	16065,16066,16067,16068,16069,16070,16071,16072,16073,16074,16075	37050	EIF3S2; 真核生物翻訳伸長因子 3, サブユニット2 β , 36kDa
208760_at	16076,16077,16078,16079,16080,16081,16082,16083,16084,16085,16086	37051	UBE2I; ユビキチン-結合酵素 E2I(UBC9 ホモログ, 酵母)
208763_s_at	16087,16088,16089,16090,16091,16092,16093,16094,16095,16096,16097	37052	DSIP1; δ 睡眠誘導タンパク質, 免疫反応体
208764_s_at	16098,16099,16100,16101,16102,16103,16104,16105,16106,16107,16108	37053	ATP5G2; ATP シンターゼ, H ⁺ 輸送, ミトコンドリア F0複合体, サブユニット c (サブユニット 9), アイソフォーム 2
208767_s_at	16109,16110,16111,16112,16113,16114,16115,16116,16117,16118,16119	37054	LAPTM4B; リソソーム関連タンパク質 膜貫通 4 β
208770_s_at	16120,16121,16122,16123,16124,16125,16126,16127,16128,16129,16130	37055	EIF4EBP2; 真核生物翻訳伸長因子 4E結合タンパク質 2
208778_s_at	16131,16132,16133,16134,16135,16136,16137,16138,16139,16140,16141	37056	TCP1; t-複合体 1
208781_x_at	16142,16143,16144,16145,16146,16147,16148,16149,16150,16151,16152	37057	SNX3; 選別ネキシン 3
208783_s_at	16153,16154,16155,16156,16157,16158,16159,16160,16161,16162,16163	37058	MCP; 膜補因子 タンパク質(CD46, トロホブラスト-リンパ球 交差反応性抗原)
208786_s_at	16164,16165,16166,16167,16168,16169,16170,16171,16172,16173,16174	37059	MAP1LC3B; 微小管関連タンパク質 1軽鎖 3 β
208787_at	16175,16176,16177,16178,16179,16180,16181,16182,16183,16184,16185	37060	MRPL3; ミトコンドリアリボソームタンパク質L3

208788_at	16186,16187,16188,16189,16190,16191,16192,16193,16194,16195,16196	37061	ELOVL5; ELOVLファミリーメンバー5, 長鎖脂肪酸の伸長 (FEN1/Elo2, SUR4/Elo3様, 酵母)
208789_at	16197,16198,16199,16200,16201,16202,16203,16204,16205,16206,16207	37062	PTRF; ポリメラーゼ I および転写物 放出因子
208790_s_at	16208,16209,16210,16211,16212,16213,16214,16215,16216,16217,16218	37063	PTRF; ポリメラーゼ I および転写物 放出因子
208791_at	16219,16220,16221,16222,16223,16224,16225,16226,16227,16228,16229	37064	CLU; クラスタリン (補体溶解インヒビター, SP-40,40, 硫酸化糖タンパク質 2, テストステロン-抑制 前立腺メッセージ 2, アポリポタンパク質J)
208792_s_at	16230,16231,16232,16233,16234,16235,16236,16237,16238,16239,16240	37065	CLU; クラスタリン (補体溶解インヒビター, SP-40,40, 硫酸化糖タンパク質 2, テストステロン-抑制前立腺メッセージ 2, アポリポタンパク質J)
208796_s_at	16241,16242,16243,16244,16245,16246,16247,16248,16249,16250,16251	37066	CCNG1; サイクリン G 1
208799_at	16252,16253,16254,16255,16256,16257,16258,16259,16260,16261,16262	37067	PSMB5; プロテアソーム (プロソーム, マクロペイン)サブユニット, β type, 5
208800_at	16263,16264,16265,16266,16267,16268,16269,16270,16271,16272,16273	37068	SRP72; シグナル認識粒子 72kDa
208801_at	16274,16275,16276,16277,16278,16279,16280,16281,16282,16283,16284	37069	SRP72; シグナル認識粒子 72kDa
208811_s_at	16285,16286,16287,16288,16289,16290,16291,16292,16293,16294,16295	37070	DNAJB6; DnaJ (Hsp40) ホモログ, サブファミリーB, メンバー6
208813_at	16296,16297,16298,16299,16300,16301,16302,16303,16304,16305,16306	37071	GOT1; グルタミン-オキサロ酢酸トランスアミナーゼ 1, 可溶性 (アスパラギン酸 アミノトランスフェラーゼ 1)
208815_x_at	16307,16308,16309,16310,16311,16312,16313,16314,16315,16316,16317	37072	HSPA4; ヒートショック 70kDa タンパク質4
208817_at	16318,16319,16320,16321,16322,16323,16324,16325,16326,16327,16328	37073	COMT; カテコール-O-メチルトランスフェラーゼ
208818_s_at	16329,16330,16331,16332,16333,16334,16335,16336,16337,16338,16339	37074	COMT; カテコール-O-メチルトランスフェラーゼ
208821_at	16340,16341,16342,16343,16344,16345,16346,16347,16348,16349,16350	37075	SNRPB; 小型 核リボヌクレオタンパク質 ポリペプチドs BおよびB1
208824_x_at	16351,16352,16353,16354,16355,16356,16357,16358,16359,16360,16361	37076	PCTK1; PCTAIRE タンパク質 キナーゼ1

208826_x_at	16362,16363,16364,16365,16366,16367,16368,16369,16370,16371,16372	37077	HINT1; ヒスチジン三連ヌクレオチド 結合タンパク質 1
208828_at	16373,16374,16375,16376,16377,16378,16379,16380,16381,16382,16383	37078	POLE3; ポリメラーゼ (DNA指向性), ε 3(p17 サブユニット)
208837_at	16384,16385,16386,16387,16388,16389,16390,16391,16392,16393,16394	37079	C15orf22; 染色体 15
オープンリーディングフレーム 22			
208840_s_at	16395,16396,16397,16398,16399,16400,16401,16402,16403,16404,16405	37080	G3BP2; Ras-GTPase
活性化タンパク質SH3ドメイン-結合タンパク質 2			
208842_s_at	16406,16407,16408,16409,16410,16411,16412,16413,16414,16415,16416	37081	GORASP2; ゴルジ C 2, 55kDa
208843_s_at	16417,16418,16419,16420,16421,16422,16423,16424,16425,16426,16427	37082	GORASP2; ゴルジ再組立スタッキングタンパク質 2, 55kDa
208848_at	16428,16429,16430,16431,16432,16433,16434,16435,16436,16437,16438	37083	ADH5; アルコール デヒドロゲナーゼ 5(クラスIII), chi ポリペプチド
208852_s_at	16439,16440,16441,16442,16443,16444,16445,16446,16447,16448,16449	37084	CANX; カルネキシン
208853_s_at	16450,16451,16452,16453,16454,16455,16456,16457,16458,16459,16460	37085	CANX; カルネキシン
208856_x_at	16461,16462,16463,16464,16465,16466,16467,16468,16469,16470,16471	37086	RPLP0; リボソームタンパク質, large, P0
208864_s_at	16472,16473,16474,16475,16476,16477,16478,16479,16480,16481,16482	37087	TXN; チオレドキシン
208867_s_at	16483,16484,16485,16486,16487,16488,16489,16490,16491,16492,16493	37088	CSNK1A1; カゼインキナーゼ 1, α1
208868_s_at	16494,16495,16496,16497,16498,16499,16500,16501,16502,16503,16504	37089	GABARAPL1; GABA(A) レセプター関連タンパク質 like 1
208870_x_at	16505,16506,16507,16508,16509,16510,16511,16512,16513,16514,16515	37090	ATP5C1; ATP シンターゼ, H ⁺ 輸送, ミトコンドリア F1複合体, γ ポリペプチド 1
208879_x_at	16516,16517,16518,16519,16520,16521,16522,16523,16524,16525,16526	37091	C20orf14; 染色体 20
オープンリーディングフレーム14			
208881_x_at	16527,16528,16529,16530,16531,16532,16533,16534,16535,16536,16537	37092	IDI1; イソペンテニル-ジホスフェート δ イソメラーゼ
208894_at	16538,16539,16540,16541,16542,16543,16544,16545,16546,16547,16548	37093	HLA-DRA; 腫瘍な織適合性複合体, クラスII, DR α
208899_x_at	16549,16550,16551,16552,16553,16554,16555,16556,16557,16558,16559	37094	ATP6V1D; ATPase, H ⁺

輸送, リソソーム34kDa, V1 サブユニット D		
208904_s_at	16560,16561,16562,16563,16564,16565,16566,16567,16568,16569,16570	37095 RPS28; リボソームタンパク質 S28
208905_at	16571,16572,16573,16574,16575,16576,16577,16578,16579,16580,16581	37096 CYCS; シトクロム c, 体細胞性
208909_at	16582,16583,16584,16585,16586,16587,16588,16589,16590,16591,16592	37097 UQCRFS1; ユビキノール -シトクロム c レダクターゼ, Rieske 鉄-硫酸r ポリペプチド 1
208910_s_at	16593,16594,16595,16596,16597,16598,16599,16600,16601,16602,16603	37098 C1QBP; 補体成分 1, q 小成分結合タンパク質
208915_s_at	16604,16605,16606,16607,16608,16609,16610,16611,16612,16613,16614	37099 GGA2; ゴルジ関連, γ アダプチン含有, ARF 結合タンパク質 2
208917_x_at	16615,16616,16617,16618,16619,16620,16621,16622,16623,16624,16625	37100 FLJ13052; NAD キナーゼ
208918_s_at	16626,16627,16628,16629,16630,16631,16632,16633,16634,16635,16636	37101 FLJ13052; NAD キナーゼ
208923_at	16637,16638,16639,16640,16641,16642,16643,16644,16645,16646,16647	37102 CYFIP1; 細胞質 FMR1 相互作用 タンパク質 1
208926_at	16648,16649,16650,16651,16652,16653,16654,16655,16656,16657,16658	37103 NEU1; シアリダーゼ 1 (リソソーム シアリダーゼ)
208928_at	16659,16660,16661,16662,16663,16664,16665,16666,16667,16668,16669	37104 POR; P450 (シトクロム) オキシドレダクターゼ
208929_x_at	16670,16671,16672,16673,16674,16675,16676,16677,16678,16679,16680	37105 RPL13; リボソームタンパク質 L13
208930_s_at	16681,16682,16683,16684,16685,16686,16687,16688,16689,16690,16691	37106 ILF3; インターロイキンエンハンサー 結合因子 3, 90kDa
208932_at	16692,16693,16694,16695,16696,16697,16698,16699,16700,16701,16702	37107 PPP4C; タンパク質 ホスファターゼ 4(以前は X), 触媒性サブユニット
208933_s_at	16703,16704,16705,16706,16707,16708,16709,16710,16711,16712,16713	37108 LGALS8; レクチン, ガラクトシド結合, 可溶性, 8 (ガレクチン 8)
208941_s_at	16714,16715,16716,16717,16718,16719,16720,16721,16722,16723,16724	37109 SEPHS1; セレンホスフェート シンテターゼ 1
208944_at	16725,16726,16727,16728,16729,16730,16731,16732,16733,16734,16735	37110
208962_s_at	16736,16737,16738,16739,16740,16741,16742,16743,16744,16745,16746	37111 FADS1; 脂肪酸 不飽

和化酵素 1		
208964_s_at	16747,16748,16749,16750,16751,16752,16753,16754,1	
6755,16756,16757	37112	FADS1; 脂肪酸 不飽
和化酵素 1		
208966_x_at	16758,16759,16760,16761,16762,16763,16764,16765,1	
6766,16767,16768	37113	IFI16; インターフェ
ロン, γ 誘導性 タンパク質16		
208967_s_at	16769,16770,16771,16772,16773,16774,16775,16776,1	
6777,16778,16779	37114	AK2; アデニル酸キナ
ーゼ 2		
208968_s_at	16780,16781,16782,16783,16784,16785,16786,16787,1	
6788,16789,16790	37115	CIAPIN1; サイトカイ
ン誘導性アポトーシスインヒビター 1		
208977_x_at	16791,16792,16793,16794,16795,16796,16797,16798,1	
6799,16800,16801	37116	TUBB2; チューブリン
, β , 2		
208978_at	16802,16803,16804,16805,16806,16807,16808,16809,168	
10,16811,16812	37117	CRIP2; システインリッ
チ タンパク質 2		
208980_s_at	16813,16814,16815,16816,16817,16818,16819,16820,1	
6821,16822,16823	37118	UBC; ユビキチン C
208985_s_at	16824,16825,16826,16827,16828,16829,16830,16831,1	
6832,16833,16834	37119	EIF3S1; 真核生物翻
訳伸長因子 3, サブユニット1 α , 35kDa		
208998_at	16835,16836,16837,16838,16839,16840,16841,16842,168	
43,16844,16845	37120	UCP2; 非結合タンパク
質 2 (ミトコンドリア, プロトンキャリア)		
209009_at	16846,16847,16848,16849,16850,16851,16852,16853,168	
54,16855,16856	37121	ESD; エステラーゼ D/
ホルミルグルタチオンヒドロラーゼ		
209014_at	16857,16858,16859,16860,16861,16862,16863,16864,168	
65,16866,16867	37122	MAGED1; 黒色腫抗原, フ
ァミリー D, 1		
209015_s_at	16868,16869,16870,16871,16872,16873,16874,16875,1	
6876,16877,16878	37123	DNAJB6; DnaJ (Hsp40
) ホモログ, サブファミリーB, メンバー6		
209026_x_at	16879,16880,16881,16882,16883,16884,16885,16886,1	
6887,16888,16889	37124	OK/SW-cl.56; β 5-
チューブリン		
209036_s_at	16890,16891,16892,16893,16894,16895,16896,16897,1	
6898,16899,16900	37125	MDH2; リンゴ酸デヒ
ドロゲナーゼ 2, NAD (ミトコンドリア)		
209039_x_at	16901,16902,16903,16904,16905,16906,16907,16908,1	
6909,16910,16911	37126	EHD1; EHドメイン含
有1		
209041_s_at	16912,16913,16914,16915,16916,16917,16918,16919,1	
6920,16921,16922	37127	UBE2G2; ユビキチン-
結合酵素 E2G2 (UBC7 ホモログ, 酵母)		
209042_s_at	16923,16924,16925,16926,16927,16928,16929,16930,1	
6931,16932,16933	37128	UBE2G2; ユビキチン-

結合酵素 E2G2 (UBC7 ホモログ, 酵母)

209047_at 16934,16935,16936,16937,16938,16939,16940,16941,16942,16943,16944 37129 AQP1; アクアポリン 1

(チャネル形成内在性タンパク質, 28kDa)

209057_x_at 16945,16946,16947,16948,16949,16950,16951,16952,16953,16954,16955 37130 CDC5L; CDC5 細胞分

裂周期 5様(S. pombe)

209063_x_at 16956,16957,16958,16959,16960,16961,16962,16963,16964,16965,16966 37131 PAIP1; ポリ(A) 結合

タンパク質 相互作用 タンパク質 1

209070_s_at 16967,16968,16969,16970,16971,16972,16973,16974,16975,16976,16977 37132 RGS5; G-タンパク質

シグナル伝達 5の調節因子

209071_s_at 16978,16979,16980,16981,16982,16983,16984,16985,16986,16987,16988 37133 RGS5; G-タンパク質

シグナル伝達 5の調節因子

209074_s_at 16989,16990,16991,16992,16993,16994,16995,16996,16997,16998,16999 37134 TU3A; TU3A タンパク

質

209075_s_at 17000,17001,17002,17003,17004,17005,17006,17007,17008,17009,17010 37135 ISCU; 鉄-硫黄クラ

スター組立酵素

209076_s_at 17011,17012,17013,17014,17015,17016,17017,17018,17019,17020,17021 37136 WDR45L; WDR45様

209080_x_at 17022,17023,17024,17025,17026,17027,17028,17029,17030,17031,17032 37137 TXNL2; チオレドキシ

ン様 2

209086_x_at 17033,17034,17035,17036,17037,17038,17039,17040,17041,17042,17043 37138 MCAM; 黒色腫細胞接

着分子

209087_x_at 17044,17045,17046,17047,17048,17049,17050,17051,17052,17053,17054 37139 MCAM; 黒色腫細胞接

着分子

209090_s_at 17055,17056,17057,17058,17059,17060,17061,17062,17063,17064,17065 37140 SH3GLB1; SH3ドメイ

ン GRB2様 エンドフィリンB1

209091_s_at 17066,17067,17068,17069,17070,17071,17072,17073,17074,17075,17076 37141 SH3GLB1; SH3ドメイ

ン GRB2様 エンドフィリンB1

209100_at 17077,17078,17079,17080,17081,17082,17083,17084,17085,17086,17087 37142 IFRD2; インターフェロ

ン関連 developmental調節因子 2

209101_at 17088,17089,17090,17091,17092,17093,17094,17095,17096,17097,17098 37143 CTGF; 結合組織成長因

子

209104_s_at 17099,17100,17101,17102,17103,17104,17105,17106,17107,17108,17109 37144 NOLA2; 核小体 タン

パク質ファミリーA, メンバー2 (H/ACA 小型核小体 RNPs)

209110_s_at 17110,17111,17112,17113,17114,17115,17116,17117,17118,17119,17120 37145 RGL2; ral グアニン

ヌクレオチド 解離刺激様 2

209113_s_at	17121,17122,17123,17124,17125,17126,17127,17128,17129,17130,17131	37146	HMG20B; 高移動度群 20B
209114_at	17132,17133,17134,17135,17136,17137,17138,17139,17140,17141,17142	37147	TSPAN-1; テトラスパン 1
209118_s_at	17143,17144,17145,17146,17147,17148,17149,17150,17151,17152,17153	37148	TUBA3; チューブリン, α 3
209123_at	17154,17155,17156,17157,17158,17159,17160,17161,17162,17163,17164	37149	QDPR; キノイドジヒド
209129_at	17165,17166,17167,17168,17169,17170,17171,17172,17173,17174,17175	37150	TRIP6; 甲状腺ホルモン レセプター インタクター 6
209130_at	17176,17177,17178,17179,17180,17181,17182,17183,17184,17185,17186	37151	SNAP23; シナプトソーム 関連 タンパク質, 23kDa
209132_s_at	17187,17188,17189,17190,17191,17192,17193,17194,17195,17196,17197	37152	COMM4; COMM ドメイン 含有 4
209142_s_at	17198,17199,17200,17201,17202,17203,17204,17205,17206,17207,17208	37153	UBE2G1; ユビキチン-結合酵素 E2G1 (UBC7 ホモログ, <i>C. elegans</i>)
209147_s_at	17209,17210,17211,17212,17213,17214,17215,17216,17217,17218,17219	37154	PPAP2A; ホスファチジン酸性ホスファターゼ 2A型
209149_s_at	17220,17221,17222,17223,17224,17225,17226,17227,17228,17229,17230	37155	TM9SF1; 膜貫通 9 スーパーファミリー メンバー 1
209154_at	17231,17232,17233,17234,17235,17236,17237,17238,17239,17240,17241	37156	TAX1BP3; Tax1 (ヒト T 細胞白血病ウイルス I 型) 結合タンパク質 3
209156_s_at	17242,17243,17244,17245,17246,17247,17248,17249,17250,17251,17252	37157	COL6A2; コラーゲン, VI 型, α 2
209161_at	17253,17254,17255,17256,17257,17258,17259,17260,17261,17262,17263	37158	PRPF4; PRP4 プレ mRNA プロセシング因子 r4 ホモログ (酵母)
209167_at	17264,17265,17266,17267,17268,17269,17270,17271,17272,17273,17274	37159	GPM6B; 糖タンパク質 M 6B
209170_s_at	17275,17276,17277,17278,17279,17280,17281,17282,17283,17284,17285	37160	GPM6B; 糖タンパク質 M 6B
209171_at	17286,17287,17288,17289,17290,17291,17292,17293,17294,17295,17296	37161	ITPA; イノシントリホスファターゼ (ヌクレオシドトリホスフェート ピロホスファターゼ)
209175_at	17297,17298,17299,17300,17301,17302,17303,17304,17305		

05,17306,17307 用 タンパク質	37162	SEC23IP; SEC23 相互作
209177_at 16,17317,17318 パク質 E3-3	17308,17309,17310,17311,17312,17313,17314,17315,17316,17317,17318 37163	DKFZP564J0123; 核タン
209188_x_at 7327,17328,17329 レギュレーター,TBP結合 (陰性補因子 2)	17319,17320,17321,17322,17323,17324,17325,17326,17327,17328,17329 37164	DR1; 転写 1のダウン
209191_at 38,17339,17340 β MGC4083	17330,17331,17332,17333,17334,17335,17336,17337,17338,17339,17340 37165	MGC4083; チューブリン
209194_at 49,17350,17351 -ハンド タンパク質, 2	17341,17342,17343,17344,17345,17346,17347,17348,17349,17350,17351 37166	CETN2; セントリン, EF
209197_at 60,17361,17362 ン XI	17352,17353,17354,17355,17356,17357,17358,17359,17360,17361,17362 37167	SYT11; シナプトタグミ
209198_s_at 7371,17372,17373 ミン XI	17363,17364,17365,17366,17367,17368,17369,17370,17371,17372,17373 37168	SYT11; シナプトタグ
209199_s_at 7382,17383,17384 転写エンハンサー因子2, ポリペプチド C (筋細胞エンハンサー因子 2C)	17374,17375,17376,17377,17378,17379,17380,17381,17382,17383,17384 37169	MEF2C;MADSボックス
209200_at 93,17394,17395	17385,17386,17387,17388,17389,17390,17391,17392,17393,17394,17395 37170	
209202_s_at 7404,17405,17406 チ)様 3	17396,17397,17398,17399,17400,17401,17402,17403,17404,17405,17406 37171	EXTL3; 外骨症 (マル
209203_s_at 7415,17416,17417 ログ 2(Drosophila)	17407,17408,17409,17410,17411,17412,17413,17414,17415,17416,17417 37172	BICD2;両尾 D ホモ
209209_s_at 7426,17427,17428 リン ホモロジードメイン含有,ファミリー C (FERMドメインを含む) メンバー1	17418,17419,17420,17421,17422,17423,17424,17425,17426,17427,17428 37173	PLEKHC1; プレクスト
209210_s_at 7437,17438,17439 リン ホモロジードメイン含有,ファミリー C (FERMドメインを含む) メンバー1	17429,17430,17431,17432,17433,17434,17435,17436,17437,17438,17439 37174	PLEKHC1; プレクスト
209213_at 48,17449,17450 クターゼ 1	17440,17441,17442,17443,17444,17445,17446,17447,17448,17449,17450 37175	CBR1; カルボニルレダ
209217_s_at 7459,17460,17461 ドメイン 45	17451,17452,17453,17454,17455,17456,17457,17458,17459,17460,17461 37176	WDR45; WD 繰り返し
209218_at 70,17471,17472 キシダーゼ	17462,17463,17464,17465,17466,17467,17468,17469,17470,17471,17472 37177	SQLE; スクアレン エポ
209222_s_at 7481,17482,17483 ロール 結合タンパク質様 2	17473,17474,17475,17476,17477,17478,17479,17480,17481,17482,17483 37178	OSBPL2; オキシステ
209228_x_at	17484,17485,17486,17487,17488,17489,17490,17491,17484,17485,17486,17487,17488,17489,17490,17491,1	

7492, 17493, 17494	37179
209231_s_at	17495, 17496, 17497, 17498, 17499, 17500, 17501, 17502, 1
7503, 17504, 17505	37180
209242_at	17506, 17507, 17508, 17509, 17510, 17511, 17512, 17513, 175
14, 17515, 17516	37181
209251_x_at	17517, 17518, 17519, 17520, 17521, 17522, 17523, 17524, 1
7525, 17526, 17527	37182
209263_x_at	17528, 17529, 17530, 17531, 17532, 17533, 17534, 17535, 1
7536, 17537, 17538	37183
209264_s_at	17539, 17540, 17541, 17542, 17543, 17544, 17545, 17546, 1
7547, 17548, 17549	37184
209265_s_at	17550, 17551, 17552, 17553, 17554, 17555, 17556, 17557, 1
7558, 17559, 17560	37185
209273_s_at	17561, 17562, 17563, 17564, 17565, 17566, 17567, 17568, 1
7569, 17570, 17571	37186
209283_at	17572, 17573, 17574, 17575, 17576, 17577, 17578, 17579, 175
80, 17581, 17582	37187
209286_at	17583, 17584, 17585, 17586, 17587, 17588, 17589, 17590, 175
91, 17592, 17593	37188
209287_s_at	17594, 17595, 17596, 17597, 17598, 17599, 17600, 17601, 1
7602, 17603, 17604	37189
209288_s_at	17605, 17606, 17607, 17608, 17609, 17610, 17611, 17612, 1
7613, 17614, 17615	37190
209291_at	17616, 17617, 17618, 17619, 17620, 17621, 17622, 17623, 176
24, 17625, 17626	37191
209292_at	17627, 17628, 17629, 17630, 17631, 17632, 17633, 17634, 176
35, 17636, 17637	37192
209295_at	17638, 17639, 17640, 17641, 17642, 17643, 17644, 17645, 176
46, 17647, 17648	37193
209297_at	17649, 17650, 17651, 17652, 17653, 17654, 17655, 17656, 176
57, 17658, 17659	37194
209298_s_at	17660, 17661, 17662, 17663, 17664, 17665, 17666, 17667, 1
7668, 17669, 17670	37195
209302_at	17671, 17672, 17673, 17674, 17675, 17676, 17677, 17678, 176
79, 17680, 17681	37196
209309_at	17682, 17683, 17684, 17685, 17686, 17687, 17688, 17689, 176
90, 17691, 17692	37197
209318_x_at	17693, 17694, 17695, 17696, 17697, 17698, 17699, 17700, 1
7701, 17702, 17703	37198
209323_at	17704, 17705, 17706, 17707, 17708, 17709, 17710, 17711, 177
12, 17713, 17714	37199
209324_s_at	17715, 17716, 17717, 17718, 17719, 17720, 17721, 17722, 1
7723, 17724, 17725	37200
209335_at	17726, 17727, 17728, 17729, 17730, 17731, 17732, 17733, 177
34, 17735, 17736	37201
209337_at	17737, 17738, 17739, 17740, 17741, 17742, 17743, 17744, 177
45, 17746, 17747	37202
209338_at	17748, 17749, 17750, 17751, 17752, 17753, 17754, 17755, 177
56, 17757, 17758	37203
209340_at	17759, 17760, 17761, 17762, 17763, 17764, 17765, 17766, 177

67,17768,17769	37204
209345_s_at	17770,17771,17772,17773,17774,17775,17776,17777,1
7778,17779,17780	37205
209355_s_at	17781,17782,17783,17784,17785,17786,17787,17788,1
7789,17790,17791	37206
209356_x_at	17792,17793,17794,17795,17796,17797,17798,17799,1
7800,17801,17802	37207
209360_s_at	17803,17804,17805,17806,17807,17808,17809,17810,1
7811,17812,17813	37208
209363_s_at	17814,17815,17816,17817,17818,17819,17820,17821,1
7822,17823,17824	37209
209364_at	17825,17826,17827,17828,17829,17830,17831,17832,178
33,17834,17835	37210
209365_s_at	17836,17837,17838,17839,17840,17841,17842,17843,1
7844,17845,17846	37211
209366_x_at	17847,17848,17849,17850,17851,17852,17853,17854,1
7855,17856,17857	37212
209367_at	17858,17859,17860,17861,17862,17863,17864,17865,178
66,17867,17868	37213
209368_at	17869,17870,17871,17872,17873,17874,17875,17876,178
77,17878,17879	37214
209372_x_at	17880,17881,17882,17883,17884,17885,17886,17887,1
7888,17889,17890	37215
209377_s_at	17891,17892,17893,17894,17895,17896,17897,17898,1
7899,17900,17901	37216
209379_s_at	17902,17903,17904,17905,17906,17907,17908,17909,1
7910,17911,17912	37217
209389_x_at	17913,17914,17915,17916,17917,17918,17919,17920,1
7921,17922,17923	37218
209391_at	17924,17925,17926,17927,17928,17929,17930,17931,179
32,17933,17934	37219
209398_at	17935,17936,17937,17938,17939,17940,17941,17942,179
43,17944,17945	37220
209401_s_at	17946,17947,17948,17949,17950,17951,17952,17953,1
7954,17955,17956	37221
209402_s_at	17957,17958,17959,17960,17961,17962,17963,17964,1
7965,17966,17967	37222
209403_at	17968,17969,17970,17971,17972,17973,17974,17975,179
76,17977,17978	37223,37224,37225,37226,37227
209404_s_at	17979,17980,17981,17982,17983,17984,17985,17986,1
7987,17988,17989	37228
209405_s_at	17990,17991,17992,17993,17994,17995,17996,17997,1
7998,17999,18000	37229
209406_at	18001,18002,18003,18004,18005,18006,18007,18008,180
09,18010,18011	37230
209407_s_at	18012,18013,18014,18015,18016,18017,18018,18019,1
8020,18021,18022	37231
209420_s_at	18023,18024,18025,18026,18027,18028,18029,18030,1
8031,18032,18033	37232

209421_at	18034, 18035, 18036, 18037, 18038, 18039, 18040, 18041, 18042, 18043, 18044
209424_s_at	18045, 18046, 18047, 18048, 18049, 18050, 18051, 18052, 18053, 18054, 18055
209425_at	18056, 18057, 18058, 18059, 18060, 18061, 18062, 18063, 18064, 18065, 18066
209426_s_at	18067, 18068, 18069, 18070, 18071, 18072, 18073, 18074, 18075, 18076, 18077
209427_at	18078, 18079, 18080, 18081, 18082, 18083, 18084, 18085, 18086, 18087, 18088
209432_s_at	18089, 18090, 18091, 18092, 18093, 18094, 18095, 18096, 18097, 18098, 18099
209433_s_at	18100, 18101, 18102, 18103, 18104, 18105, 18106, 18107, 18108, 18109, 18110
209436_at	18111, 18112, 18113, 18114, 18115, 18116, 18117, 18118, 18119, 18120, 18121
209437_s_at	18122, 18123, 18124, 18125, 18126, 18127, 18128, 18129, 18130, 18131, 18132
209440_at	18133, 18134, 18135, 18136, 18137, 18138, 18139, 18140, 18141, 18142, 18143
209443_at	18144, 18145, 18146, 18147, 18148, 18149, 18150, 18151, 18152, 18153, 18154
209454_s_at	18155, 18156, 18157, 18158, 18159, 18160, 18161, 18162, 18163, 18164, 18165
209465_x_at	18166, 18167, 18168, 18169, 18170, 18171, 18172, 18173, 18174, 18175, 18176
209466_x_at	18177, 18178, 18179, 18180, 18181, 18182, 18183, 18184, 18185, 18186, 18187
209469_at	18188, 18189, 18190, 18191, 18192, 18193, 18194, 18195, 18196, 18197, 18198
209470_s_at	18199, 18200, 18201, 18202, 18203, 18204, 18205, 18206, 18207, 18208, 18209
209471_s_at	18210, 18211, 18212, 18213, 18214, 18215, 18216, 18217, 18218, 18219, 18220
209472_at	18221, 18222, 18223, 18224, 18225, 18226, 18227, 18228, 18229, 18230, 18231
209473_at	18232, 18233, 18234, 18235, 18236, 18237, 18238, 18239, 18240, 18241, 18242
209474_s_at	18243, 18244, 18245, 18246, 18247, 18248, 18249, 18250, 18251, 18252, 18253
209478_at	18254, 18255, 18256, 18257, 18258, 18259, 18260, 18261, 18262, 18263, 18264
209482_at	18265, 18266, 18267, 18268, 18269, 18270, 18271, 18272, 18273, 18274, 18275
209485_s_at	18276, 18277, 18278, 18279, 18280, 18281, 18282, 18283, 18284, 18285, 18286
209487_at	18287, 18288, 18289, 18290, 18291, 18292, 18293, 18294, 18295, 18296, 18297
209488_s_at	18298, 18299, 18300, 18301, 18302, 18303, 18304, 18305, 18306, 18307, 18308

209496_at	18309, 18310, 18311, 18312, 18313, 18314, 18315, 18316, 18317, 18318, 18319
209498_at	18320, 18321, 18322, 18323, 18324, 18325, 18326, 18327, 18328, 18329, 18330
209501_at	18331, 18332, 18333, 18334, 18335, 18336, 18337, 18338, 18339, 18340, 18341
209504_s_at	18342, 18343, 18344, 18345, 18346, 18347, 18348, 18349, 18350, 18351, 18352
209505_at	18353, 18354, 18355, 18356, 18357, 18358, 18359, 18360, 18361, 18362, 18363
209509_s_at	18364, 18365, 18366, 18367, 18368, 18369, 18370, 18371, 18372, 18373, 18374
209516_at	18375, 18376, 18377, 18378, 18379, 18380, 18381, 18382, 18383, 18384, 18385
209526_s_at	18386, 18387, 18388, 18389, 18390, 18391, 18392, 18393, 18394, 18395, 18396
209539_at	18397, 18398, 18399, 18400, 18401, 18402, 18403, 18404, 18405, 18406, 18407
209540_at	18408, 18409, 18410, 18411, 18412, 18413, 18414, 18415, 18416, 18417, 18418
209541_at	18419, 18420, 18421, 18422, 18423, 18424, 18425, 18426, 18427, 18428, 18429
209542_x_at	18430, 18431, 18432, 18433, 18434, 18435, 18436, 18437, 18438, 18439, 18440
209545_s_at	18441, 18442, 18443, 18444, 18445, 18446, 18447, 18448, 18449, 18450, 18451
209550_at	18452, 18453, 18454, 18455, 18456, 18457, 18458, 18459, 18460, 18461, 18462
209563_x_at	18463, 18464, 18465, 18466, 18467, 18468, 18469, 18470, 18471, 18472, 18473
209568_s_at	18474, 18475, 18476, 18477, 18478, 18479, 18480, 18481, 18482, 18483, 18484
209576_at	18485, 18486, 18487, 18488, 18489, 18490, 18491, 18492, 18493, 18494, 18495
209582_s_at	18496, 18497, 18498, 18499, 18500, 18501, 18502, 18503, 18504, 18505, 18506
209583_s_at	18507, 18508, 18509, 18510, 18511, 18512, 18513, 18514, 18515, 18516, 18517
209592_s_at	18518, 18519, 18520, 18521, 18522, 18523, 18524, 18525, 18526, 18527, 18528
209605_at	18529, 18530, 18531, 18532, 18533, 18534, 18535, 18536, 18537, 18538, 18539
209608_s_at	18540, 18541, 18542, 18543, 18544, 18545, 18546, 18547, 18548, 18549, 18550
209616_s_at	18551, 18552, 18553, 18554, 18555, 18556, 18557, 18558, 18559, 18560, 18561
209621_s_at	18562, 18563, 18564, 18565, 18566, 18567, 18568, 18569, 18570, 18571, 18572
209623_at	18573, 18574, 18575, 18576, 18577, 18578, 18579, 18580, 18581, 18582, 18583

209624_s_at	18584,18585,18586,18587,18588,18589,18590,18591,1
8592,18593,18594	37283
209625_at	18595,18596,18597,18598,18599,18600,18601,18602,186
03,18604,18605	37284
209629_s_at	18606,18607,18608,18609,18610,18611,18612,18613,1
8614,18615,18616	37285
209633_at	18617,18618,18619,18620,18621,18622,18623,18624,186
25,18626,18627	37286
209644_x_at	18628,18629,18630,18631,18632,18633,18634,18635,1
8636,18637,18638	37287
209645_s_at	18639,18640,18641,18642,18643,18644,18645,18646,1
8647,18648,18649	37288
209646_x_at	18650,18651,18652,18653,18654,18655,18656,18657,1
8658,18659,18660	37289
209651_at	18661,18662,18663,18664,18665,18666,18667,18668,186
69,18670,18671	37290
209653_at	18672,18673,18674,18675,18676,18677,18678,18679,186
80,18681,18682	37291
209655_s_at	18683,18684,18685,18686,18687,18688,18689,18690,1
8691,18692,18693	37292
209656_s_at	18694,18695,18696,18697,18698,18699,18700,18701,1
8702,18703,18704	37293
209658_at	18705,18706,18707,18708,18709,18710,18711,18712,187
13,18714,18715	37294
209663_s_at	18716,18717,18718,18719,18720,18721,18722,18723,1
8724,18725,18726	37295
209665_at	18727,18728,18729,18730,18731,18732,18733,18734,187
35,18736,18737	37296
209670_at	18738,18739,18740,18741,18742,18743,18744,18745,187
46,18747,18748	37297
209671_x_at	18749,18750,18751,18752,18753,18754,18755,18756,1
8757,18758,18759	37298
209681_at	18760,18761,18762,18763,18764,18765,18766,18767,187
68,18769,18770	37299
209685_s_at	18771,18772,18773,18774,18775,18776,18777,18778,1
8779,18780,18781	37300
209687_at	18782,18783,18784,18785,18786,18787,18788,18789,187
90,18791,18792	37301
209694_at	18793,18794,18795,18796,18797,18798,18799,18800,188
01,18802,18803	37302
209695_at	18804,18805,18806,18807,18808,18809,18810,18811,188
12,18813,18814	37303
209696_at	18815,18816,18817,18818,18819,18820,18821,18822,188
23,18824,18825	37304
209699_x_at	18826,18827,18828,18829,18830,18831,18832,18833,1
8834,18835,18836	37305
209702_at	18837,18838,18839,18840,18841,18842,18843,18844,188
45,18846,18847	37306
209708_at	18848,18849,18850,18851,18852,18853,18854,18855,188
56,18857,18858	37307

209721_s_at	18859,18860,18861,18862,18863,18864,18865,18866,1
8867,18868,18869	37308
209739_s_at	18870,18871,18872,18873,18874,18875,18876,18877,1
8878,18879,18880	37309
209746_s_at	18881,18882,18883,18884,18885,18886,18887,18888,1
8889,18890,18891	37310
209747_at	18892,18893,18894,18895,18896,18897,18898,18899,189
00,18901,18902	37311
209759_s_at	18903,18904,18905,18906,18907,18908,18909,18910,1
8911,18912,18913	37312
209763_at	18914,18915,18916,18917,18918,18919,18920,18921,189
22,18923,18924	37313
209765_at	18925,18926,18927,18928,18929,18930,18931,18932,189
33,18934,18935	37314
209770_at	18936,18937,18938,18939,18940,18941,18942,18943,189
44,18945,18946	37315
209772_s_at	18947,18948,18949,18950,18951,18952,18953,18954,1
8955,18956,18957	37316
209774_x_at	18958,18959,18960,18961,18962,18963,18964,18965,1
8966,18967,18968	37317
209784_s_at	18969,18970,18971,18972,18973,18974,18975,18976,1
8977,18978,18979	37318
209785_s_at	18980,18981,18982,18983,18984,18985,18986,18987,1
8988,18989,18990	37319
209786_at	18991,18992,18993,18994,18995,18996,18997,18998,189
99,19000,19001	37320
209792_s_at	19002,19003,19004,19005,19006,19007,19008,19009,1
9010,19011,19012	37321
209796_s_at	19013,19014,19015,19016,19017,19018,19019,19020,1
9021,19022,19023	37322
209797_at	19024,19025,19026,19027,19028,19029,19030,19031,190
32,19033,19034	37323
209806_at	19035,19036,19037,19038,19039,19040,19041,19042,190
43,19044,19045	37324
209808_x_at	19046,19047,19048,19049,19050,19051,19052,19053,1
9054,19055,19056	37325
209813_x_at	19057,19058,19059,19060,19061,19062,19063,19064,1
9065,19066,19067	37326
209818_s_at	19068,19069,19070,19071,19072,19073,19074,19075,1
9076,19077,19078	37327
209822_s_at	19079,19080,19081,19082,19083,19084,19085,19086,1
9087,19088,19089	37328
209825_s_at	19090,19091,19092,19093,19094,19095,19096,19097,1
9098,19099,19100	37329
209834_at	19101,19102,19103,19104,19105,19106,19107,19108,191
09,19110,19111	37330
209837_at	19112,19113,19114,19115,19116,19117,19118,19119,191
20,19121,19122	37331
209844_at	19123,19124,19125,19126,19127,19128,19129,19130,191
31,19132,19133	37332

209850_s_at	19134, 19135, 19136, 19137, 19138, 19139, 19140, 19141, 1
9142, 19143, 19144	37333
209853_s_at	19145, 19146, 19147, 19148, 19149, 19150, 19151, 19152, 1
9153, 19154, 19155	37334
209856_x_at	19156, 19157, 19158, 19159, 19160, 19161, 19162, 19163, 1
9164, 19165, 19166	37335
209863_s_at	19167, 19168, 19169, 19170, 19171, 19172, 19173, 19174, 1
9175, 19176, 19177	37336
209868_s_at	19178, 19179, 19180, 19181, 19182, 19183, 19184, 19185, 1
9186, 19187, 19188	37337
209869_at	19189, 19190, 19191, 19192, 19193, 19194, 19195, 19196, 191
97, 19198, 19199	37338
209870_s_at	19200, 19201, 19202, 19203, 19204, 19205, 19206, 19207, 1
9208, 19209, 19210	37339
209872_s_at	19211, 19212, 19213, 19214, 19215, 19216, 19217, 19218, 1
9219, 19220, 19221	37340
209873_s_at	19222, 19223, 19224, 19225, 19226, 19227, 19228, 19229, 1
9230, 19231, 19232	37341
209878_s_at	19233, 19234, 19235, 19236, 19237, 19238, 19239, 19240, 1
9241, 19242, 19243	37342
209883_at	19244, 19245, 19246, 19247, 19248, 19249, 19250, 19251, 192
52, 19253, 19254	37343
209895_at	19255, 19256, 19257, 19258, 19259, 19260, 19261, 19262, 192
63, 19264, 19265	37344
209896_s_at	19266, 19267, 19268, 19269, 19270, 19271, 19272, 19273, 1
9274, 19275, 19276	37345
209897_s_at	19277, 19278, 19279, 19280, 19281, 19282, 19283, 19284, 1
9285, 19286, 19287	37346
209911_x_at	19288, 19289, 19290, 19291, 19292, 19293, 19294, 19295, 1
9296, 19297, 19298	37347
209917_s_at	19299, 19300, 19301, 19302, 19303, 19304, 19305, 19306, 1
9307, 19308, 19309	37348
209947_at	19310, 19311, 19312, 19313, 19314, 19315, 19316, 19317, 193
18, 19319, 19320	37349
209948_at	19321, 19322, 19323, 19324, 19325, 19326, 19327, 19328, 193
29, 19330, 19331	37350
209953_s_at	19332, 19333, 19334, 19335, 19336, 19337, 19338, 19339, 1
9340, 19341, 19342	37351
209967_s_at	19343, 19344, 19345, 19346, 19347, 19348, 19349, 19350, 1
9351, 19352, 19353	37352
209971_x_at	19354, 19355, 19356, 19357, 19358, 19359, 19360, 19361, 1
9362, 19363, 19364	37353
209981_at	19365, 19366, 19367, 19368, 19369, 19370, 19371, 19372, 193
73, 19374, 19375	37354
210002_at	19376, 19377, 19378, 19379, 19380, 19381, 19382, 19383, 193
84, 19385, 19386	37355
210010_s_at	19387, 19388, 19389, 19390, 19391, 19392, 19393, 19394, 1
9395, 19396, 19397	37356
210023_s_at	19398, 19399, 19400, 19401, 19402, 19403, 19404, 19405, 1

9406, 19407, 19408	37357
210024_s_at	19409, 19410, 19411, 19412, 19413, 19414, 19415, 19416, 1
9417, 19418, 19419	37358
210026_s_at	19420, 19421, 19422, 19423, 19424, 19425, 19426, 19427, 1
9428, 19429, 19430	37359
210027_s_at	19431, 19432, 19433, 19434, 19435, 19436, 19437, 19438, 1
9439, 19440, 19441	37360
210036_s_at	19442, 19443, 19444, 19445, 19446, 19447, 19448, 19449, 1
9450, 19451, 19452	37361
210038_at	19453, 19454, 19455, 19456, 19457, 19458, 19459, 19460, 194
61, 19462, 19463	37362
210041_s_at	19464, 19465, 19466, 19467, 19468, 19469, 19470, 19471, 1
9472, 19473, 19474	37363
210059_s_at	19475, 19476, 19477, 19478, 19479, 19480, 19481, 19482, 1
9483, 19484, 19485	37364
210063_at	19486, 19487, 19488, 19489, 19490, 19491, 19492, 19493, 194
94, 19495, 19496	37365
210072_at	19497, 19498, 19499, 19500, 19501, 19502, 19503, 19504, 195
05, 19506, 19507	37366
210076_x_at	19508, 19509, 19510, 19511, 19512, 19513, 19514, 19515, 1
9516, 19517, 19518	37367
210079_x_at	19519, 19520, 19521, 19522, 19523, 19524, 19525, 19526, 1
9527, 19528, 19529	37368
210087_s_at	19530, 19531, 19532, 19533, 19534, 19535, 19536, 19537, 1
9538, 19539, 19540	37369
210089_s_at	19541, 19542, 19543, 19544, 19545, 19546, 19547, 19548, 1
9549, 19550, 19551	37370
210095_s_at	19552, 19553, 19554, 19555, 19556, 19557, 19558, 19559, 1
9560, 19561, 19562	37371
210097_s_at	19563, 19564, 19565, 19566, 19567, 19568, 19569, 19570, 1
9571, 19572, 19573	37372
210101_x_at	19574, 19575, 19576, 19577, 19578, 19579, 19580, 19581, 1
9582, 19583, 19584	37373
210105_s_at	19585, 19586, 19587, 19588, 19589, 19590, 19591, 19592, 1
9593, 19594, 19595	37374
210108_at	19596, 19597, 19598, 19599, 19600, 19601, 19602, 19603, 196
04, 19605, 19606	37375
210110_x_at	19607, 19608, 19609, 19610, 19611, 19612, 19613, 19614, 1
9615, 19616, 19617	37376
210114_at	19618, 19619, 19620, 19621, 19622, 19623, 19624, 19625, 196
26, 19627, 19628	37377
210130_s_at	19629, 19630, 19631, 19632, 19633, 19634, 19635, 19636, 1
9637, 19638, 19639	37378
210139_s_at	19640, 19641, 19642, 19643, 19644, 19645, 19646, 19647, 1
9648, 19649, 19650	37379
210153_s_at	19651, 19652, 19653, 19654, 19655, 19656, 19657, 19658, 1
9659, 19660, 19661	37380
210154_at	19662, 19663, 19664, 19665, 19666, 19667, 19668, 19669, 196
70, 19671, 19672	37381
210155_at	19673, 19674, 19675, 19676, 19677, 19678, 19679, 19680, 196

81, 19682, 19683	37382
210156_s_at	19684, 19685, 19686, 19687, 19688, 19689, 19690, 19691, 1
9692, 19693, 19694	37383
210166_at	19695, 19696, 19697, 19698, 19699, 19700, 19701, 19702, 197
03, 19704, 19705	37384
210178_x_at	19706, 19707, 19708, 19709, 19710, 19711, 19712, 19713, 1
9714, 19715, 19716	37385, 37386
210186_s_at	19717, 19718, 19719, 19720, 19721, 19722, 19723, 19724, 1
9725, 19726, 19727	37387
210187_at	19728, 19729, 19730, 19731, 19732, 19733, 19734, 19735, 197
36, 19737, 19738	37388
210201_x_at	19739, 19740, 19741, 19742, 19743, 19744, 19745, 19746, 1
9747, 19748, 19749	37389
210202_s_at	19750, 19751, 19752, 19753, 19754, 19755, 19756, 19757, 1
9758, 19759, 19760	37390
210216_x_at	19761, 19762, 19763, 19764, 19765, 19766, 19767, 19768, 1
9769, 19770, 19771	37391
210235_s_at	19772, 19773, 19774, 19775, 19776, 19777, 19778, 19779, 1
9780, 19781, 19782	37392
210237_at	19783, 19784, 19785, 19786, 19787, 19788, 19789, 19790, 197
91, 19792, 19793	37393
210243_s_at	19794, 19795, 19796, 19797, 19798, 19799, 19800, 19801, 1
9802, 19803, 19804	37394
210249_s_at	19805, 19806, 19807, 19808, 19809, 19810, 19811, 19812, 1
9813, 19814, 19815	37395
210250_x_at	19816, 19817, 19818, 19819, 19820, 19821, 19822, 19823, 1
9824, 19825, 19826	37396
210288_at	19827, 19828, 19829, 19830, 19831, 19832, 19833, 19834, 198
35, 19836, 19837	37397
210291_s_at	19838, 19839, 19840, 19841, 19842, 19843, 19844, 19845, 1
9846, 19847, 19848	37398
210297_s_at	19849, 19850, 19851, 19852, 19853, 19854, 19855, 19856, 1
9857, 19858, 19859	37399
210298_x_at	19860, 19861, 19862, 19863, 19864, 19865, 19866, 19867, 1
9868, 19869, 19870	37400
210299_s_at	19871, 19872, 19873, 19874, 19875, 19876, 19877, 19878, 1
9879, 19880, 19881	37401
210312_s_at	19882, 19883, 19884, 19885, 19886, 19887, 19888, 19889, 1
9890, 19891, 19892	37402
210317_s_at	19893, 19894, 19895, 19896, 19897, 19898, 19899, 19900, 1
9901, 19902, 19903	37403
210337_s_at	19904, 19905, 19906, 19907, 19908, 19909, 19910, 19911, 1
9912, 19913, 19914	37404
210338_s_at	19915, 19916, 19917, 19918, 19919, 19920, 19921, 19922, 1
9923, 19924, 19925	37405
210386_s_at	19926, 19927, 19928, 19929, 19930, 19931, 19932, 19933, 1
9934, 19935, 19936	37406
210387_at	19937, 19938, 19939, 19940, 19941, 19942, 19943, 19944, 199
45, 19946, 19947	37407
210417_s_at	19948, 19949, 19950, 19951, 19952, 19953, 19954, 19955, 1

9956, 19957, 19958	37408
210434_x_at	19959, 19960, 19961, 19962, 19963, 19964, 19965, 19966, 1
9967, 19968, 19969	37409
210444_at	19970, 19971, 19972, 19973, 19974, 19975, 19976, 19977, 199
78, 19979, 19980	37410
210449_x_at	19981, 19982, 19983, 19984, 19985, 19986, 19987, 19988, 1
9989, 19990, 19991	37411
210460_s_at	19992, 19993, 19994, 19995, 19996, 19997, 19998, 19999, 2
0000, 20001, 20002	37412
210470_x_at	20003, 20004, 20005, 20006, 20007, 20008, 20009, 20010, 2
0011, 20012, 20013	37413
210471_s_at	20014, 20015, 20016, 20017, 20018, 20019, 20020, 20021, 2
0022, 20023, 20024	37414
210480_s_at	20025, 20026, 20027, 20028, 20029, 20030, 20031, 20032, 2
0033, 20034, 20035	37415
210495_x_at	20036, 20037, 20038, 20039, 20040, 20041, 20042, 20043, 2
0044, 20045, 20046	37416
210517_s_at	20047, 20048, 20049, 20050, 20051, 20052, 20053, 20054, 2
0055, 20056, 20057	37417
210519_s_at	20058, 20059, 20060, 20061, 20062, 20063, 20064, 20065, 2
0066, 20067, 20068	37418
210541_s_at	20069, 20070, 20071, 20072, 20073, 20074, 20075, 20076, 2
0077, 20078, 20079	37419
210544_s_at	20080, 20081, 20082, 20083, 20084, 20085, 20086, 20087, 2
0088, 20089, 20090	37420
210547_x_at	20091, 20092, 20093, 20094, 20095, 20096, 20097, 20098, 2
0099, 20100, 20101	37421
210570_x_at	20102, 20103, 20104, 20105, 20106, 20107, 20108, 20109, 2
0110, 20111, 20112	37422
210582_s_at	20113, 20114, 20115, 20116, 20117, 20118, 20119, 20120, 2
0121, 20122, 20123	37423
210588_x_at	20124, 20125, 20126, 20127, 20128, 20129, 20130, 20131, 2
0132, 20133, 20134	37424
210592_s_at	20135, 20136, 20137, 20138, 20139, 20140, 20141, 20142, 2
0143, 20144, 20145	37425
210594_x_at	20146, 20147, 20148, 20149, 20150, 20151, 20152, 20153, 2
0154, 20155, 20156	37426
210613_s_at	20157, 20158, 20159, 20160, 20161, 20162, 20163, 20164, 2
0165, 20166, 20167	37427
210627_s_at	20168, 20169, 20170, 20171, 20172, 20173, 20174, 20175, 2
0176, 20177, 20178	37428
210628_x_at	20179, 20180, 20181, 20182, 20183, 20184, 20185, 20186, 2
0187, 20188, 20189	37429
210632_s_at	20190, 20191, 20192, 20193, 20194, 20195, 20196, 20197, 2
0198, 20199, 20200	37430
210633_x_at	20201, 20202, 20203, 20204, 20205, 20206, 20207, 20208, 2
0209, 20210, 20211	37431
210638_s_at	20212, 20213, 20214, 20215, 20216, 20217, 20218, 20219, 2
0220, 20221, 20222	37432
210648_x_at	20223, 20224, 20225, 20226, 20227, 20228, 20229, 20230, 2

0231, 20232, 20233	37433
210658_s_at	20234, 20235, 20236, 20237, 20238, 20239, 20240, 20241, 2
0242, 20243, 20244	37434
210667_s_at	20245, 20246, 20247, 20248, 20249, 20250, 20251, 20252, 2
0253, 20254, 20255	37435
210702_s_at	20256, 20257, 20258, 20259, 20260, 20261, 20262, 20263, 2
0264, 20265, 20266	37436
210707_x_at	20267, 20268, 20269, 20270, 20271, 20272, 20273, 20274, 2
0275, 20276, 20277	37437
210719_s_at	20278, 20279, 20280, 20281, 20282, 20283, 20284, 20285, 2
0286, 20287, 20288	37438
210734_x_at	20289, 20290, 20291, 20292, 20293, 20294, 20295, 20296, 2
0297, 20298, 20299	37439
210736_x_at	20300, 20301, 20302, 20303, 20304, 20305, 20306, 20307, 2
0308, 20309, 20310	37440
210738_s_at	20311, 20312, 20313, 20314, 20315, 20316, 20317, 20318, 2
0319, 20320, 20321	37441
210759_s_at	20322, 20323, 20324, 20325, 20326, 20327, 20328, 20329, 2
0330, 20331, 20332	37442
210761_s_at	20333, 20334, 20335, 20336, 20337, 20338, 20339, 20340, 2
0341, 20342, 20343	37443
210762_s_at	20344, 20345, 20346, 20347, 20348, 20349, 20350, 20351, 2
0352, 20353, 20354	37444
210764_s_at	20355, 20356, 20357, 20358, 20359, 20360, 20361, 20362, 2
0363, 20364, 20365	37445
210783_x_at	20366, 20367, 20368, 20369, 20370, 20371, 20372, 20373, 2
0374, 20375, 20376	37446
210787_s_at	20377, 20378, 20379, 20380, 20381, 20382, 20383, 20384, 2
0385, 20386, 20387	37447
210794_s_at	20388, 20389, 20390, 20391, 20392, 20393, 20394, 20395, 2
0396, 20397, 20398	37448
210802_s_at	20399, 20400, 20401, 20402, 20403, 20404, 20405, 20406, 2
0407, 20408, 20409	37449
210820_x_at	20410, 20411, 20412, 20413, 20414, 20415, 20416, 20417, 2
0418, 20419, 20420	37450
210825_s_at	20421, 20422, 20423, 20424, 20425, 20426, 20427, 20428, 2
0429, 20430, 20431	37451
210829_s_at	20432, 20433, 20434, 20435, 20436, 20437, 20438, 20439, 2
0440, 20441, 20442	37452
210830_s_at	20443, 20444, 20445, 20446, 20447, 20448, 20449, 20450, 2
0451, 20452, 20453	37453
210840_s_at	20454, 20455, 20456, 20457, 20458, 20459, 20460, 20461, 2
0462, 20463, 20464	37454
210854_x_at	20465, 20466, 20467, 20468, 20469, 20470, 20471, 20472, 2
0473, 20474, 20475	37455
210869_s_at	20476, 20477, 20478, 20479, 20480, 20481, 20482, 20483, 2
0484, 20485, 20486	37456
210871_x_at	20487, 20488, 20489, 20490, 20491, 20492, 20493, 20494, 2
0495, 20496, 20497	37457
210891_s_at	20498, 20499, 20500, 20501, 20502, 20503, 20504, 20505, 2

0506,20507,20508	37458
210896_s_at	20509,20510,20511,20512,20513,20514,20515,20516,2
0517,20518,20519	37459
210907_s_at	20520,20521,20522,20523,20524,20525,20526,20527,2
0528,20529,20530	37460
210916_s_at	20531,20532,20533,20534,20535,20536,20537,20538,2
0539,20540,20541	37461
210926_at	20542,20543,20544,20545,20546,20547,20548,20549,205
50,20551,20552	37462
210927_x_at	20553,20554,20555,20556,20557,20558,20559,20560,2
0561,20562,20563	37463
210935_s_at	20564,20565,20566,20567,20568,20569,20570,20571,2
0572,20573,20574	37464
210972_x_at	20575,20576,20577,20578,20579,20580,20581,20582,2
0583,20584,20585	37465
210973_s_at	20586,20587,20588,20589,20590,20591,20592,20593,2
0594,20595,20596	37466
210976_s_at	20597,20598,20599,20600,20601,20602,20603,20604,2
0605,20606,20607	37467
210982_s_at	20608,20609,20610,20611,20612,20613,20614,20615,2
0616,20617,20618	37468
210983_s_at	20619,20620,20621,20622,20623,20624,20625,20626,2
0627,20628,20629	37469
210984_x_at	20630,20631,20632,20633,20634,20635,20636,20637,2
0638,20639,20640	37470
210986_s_at	20641,20642,20643,20644,20645,20646,20647,20648,2
0649,20650,20651	37471
210987_x_at	20652,20653,20654,20655,20656,20657,20658,20659,2
0660,20661,20662	37472
210990_s_at	20663,20664,20665,20666,20667,20668,20669,20670,2
0671,20672,20673	37473
210994_x_at	20674,20675,20676,20677,20678,20679,20680,20681,2
0682,20683,20684	37474
210995_s_at	20685,20686,20687,20688,20689,20690,20691,20692,2
0693,20694,20695	37475
211003_x_at	20696,20697,20698,20699,20700,20701,20702,20703,2
0704,20705,20706	37476
211026_s_at	20707,20708,20709,20710,20711,20712,20713,20714,2
0715,20716,20717	37477
211031_s_at	20718,20719,20720,20721,20722,20723,20724,20725,2
0726,20727,20728	37478
211036_x_at	20729,20730,20731,20732,20733,20734,20735,20736,2
0737,20738,20739	37479
211043_s_at	20740,20741,20742,20743,20744,20745,20746,20747,2
0748,20749,20750	37480
211047_x_at	20751,20752,20753,20754,20755,20756,20757,20758,2
0759,20760,20761	37481
211048_s_at	20762,20763,20764,20765,20766,20767,20768,20769,2
0770,20771,20772	37482
211052_s_at	20773,20774,20775,20776,20777,20778,20779,20780,2

0781,20782,20783	37483
211058_x_at	20784,20785,20786,20787,20788,20789,20790,20791,2
0792,20793,20794	37484
211060_x_at	20795,20796,20797,20798,20799,20800,20801,20802,2
0803,20804,20805	37485
211061_s_at	20806,20807,20808,20809,20810,20811,20812,20813,2
0814,20815,20816	37486
211070_x_at	20817,20818,20819,20820,20821,20822,20823,20824,2
0825,20826,20827	37487
211071_s_at	20828,20829,20830,20831,20832,20833,20834,20835,2
0836,20837,20838	37488
211072_x_at	20839,20840,20841,20842,20843,20844,20845,20846,2
0847,20848,20849	37489
211113_s_at	20850,20851,20852,20853,20854,20855,20856,20857,2
0858,20859,20860	37490
211114_x_at	20861,20862,20863,20864,20865,20866,20867,20868,2
0869,20870,20871	37491
211123_at	20872,20873,20874,20875,20876,20877,20878,20879,208
80,20881,20882	37492
211126_s_at	20883,20884,20885,20886,20887,20888,20889,20890,2
0891,20892,20893	37493
211144_x_at	20894,20895,20896,20897,20898,20899,20900,20901,2
0902,20903,20904	37494
211150_s_at	20905,20906,20907,20908,20909,20910,20911,20912,2
0913,20914,20915	37495
211152_s_at	20916,20917,20918,20919,20920,20921,20922,20923,2
0924,20925,20926	37496
211160_x_at	20927,20928,20929,20930,20931,20932,20933,20934,2
0935,20936,20937	37497
211162_x_at	20938,20939,20940,20941,20942,20943,20944,20945,2
0946,20947,20948	37498
211177_s_at	20949,20950,20951,20952,20953,20954,20955,20956,2
0957,20958,20959	37499
211203_s_at	20960,20961,20962,20963,20964,20965,20966,20967,2
0968,20969,20970	37500
211251_x_at	20971,20972,20973,20974,20975,20976,20977,20978,2
0979,20980,20981	37501
211256_x_at	20982,20983,20984,20985,20986,20987,20988,20989,2
0990,20991,20992	37502
211275_s_at	20993,20994,20995,20996,20997,20998,20999,21000,2
1001,21002,21003	37503
211276_at	21004,21005,21006,21007,21008,21009,21010,21011,210
12,21013,21014	37504
211289_x_at	21015,21016,21017,21018,21019,21020,21021,21022,2
1023,21024,21025	37505,37506
211296_x_at	21026,21027,21028,21029,21030,21031,21032,21033,2
1034,21035,21036	37507
211323_s_at	21037,21038,21039,21040,21041,21042,21043,21044,2
1045,21046,21047	37508

211340_s_at	21048,21049,21050,21051,21052,21053,21054,21055,2
1056,21057,21058	37509
211392_s_at	21059,21060,21061,21062,21063,21064,21065,21066,2
1067,21068,21069	37510
211404_s_at	21070,21071,21072,21073,21074,21075,21076,21077,2
1078,21079,21080	37511
211423_s_at	21081,21082,21083,21084,21085,21086,21087,21088,2
1089,21090,21091	37512
211450_s_at	21092,21093,21094,21095,21096,21097,21098,21099,2
1100,21101,21102	37513
211473_s_at	21103,21104,21105,21106,21107,21108,21109,21110,2
1111,21112,21113	37514
211475_s_at	21114,21115,21116,21117,21118,21119,21120,21121,2
1122,21123,21124	37515
211504_x_at	21125,21126,21127,21128,21129,21130,21131,21132,2
1133,21134,21135	37516
211535_s_at	21136,21137,21138,21139,21140,21141,21142,21143,2
1144,21145,21146	37517
211536_x_at	21147,21148,21149,21150,21151,21152,21153,21154,2
1155,21156,21157	37518
211537_x_at	21158,21159,21160,21161,21162,21163,21164,21165,2
1166,21167,21168	37519
211538_s_at	21169,21170,21171,21172,21173,21174,21175,21176,2
1177,21178,21179	37520
211555_s_at	21180,21181,21182,21183,21184,21185,21186,21187,2
1188,21189,21190	37521
211558_s_at	21191,21192,21193,21194,21195,21196,21197,21198,2
1199,21200,21201	37522
211559_s_at	21202,21203,21204,21205,21206,21207,21208,21209,2
1210,21211,21212	37523
211561_x_at	21213,21214,21215,21216,21217,21218,21219,21220,2
1221,21222,21223	37524
211562_s_at	21224,21225,21226,21227,21228,21229,21230,21231,2
1232,21233,21234	37525
211563_s_at	21235,21236,21237,21238,21239,21240,21241,21242,2
1243,21244,21245	37526
211573_x_at	21246,21247,21248,21249,21250,21251,21252,21253,2
1254,21255,21256	37527
211574_s_at	21257,21258,21259,21260,21261,21262,21263,21264,2
1265,21266,21267	37528
211576_s_at	21268,21269,21270,21271,21272,21273,21274,21275,2
1276,21277,21278	37529
211577_s_at	21279,21280,21281,21282,21283,21284,21285,21286,2
1287,21288,21289	37530
211593_s_at	21290,21291,21292,21293,21294,21295,21296,21297,2
1298,21299,21300	37531
211596_s_at	21301,21302,21303,21304,21305,21306,21307,21308,2
1309,21310,21311	37532
211599_x_at	21312,21313,21314,21315,21316,21317,21318,21319,2
1320,21321,21322	37533

211609_x_at	21323,21324,21325,21326,21327,21328,21329,21330,2
1331,21332,21333	37534
211622_s_at	21334,21335,21336,21337,21338,21339,21340,21341,2
1342,21343,21344	37535
211651_s_at	21345,21346,21347,21348,21349,21350,21351,21352,2
1353,21354,21355	37536
211653_x_at	21356,21357,21358,21359,21360,21361,21362,21363,2
1364,21365,21366	37537
211658_at	21367,21368,21369,21370,21371,21372,21373,21374,213
75,21376,21377	37538
211678_s_at	21378,21379,21380,21381,21382,21383,21384,21385,2
1386,21387,21388	37539
211697_x_at	21389,21390,21391,21392,21393,21394,21395,21396,2
1397,21398,21399	37540
211708_s_at	21400,21401,21402,21403,21404,21405,21406,21407,2
1408,21409,21410	37541
211715_s_at	21411,21412,21413,21414,21415,21416,21417,21418,2
1419,21420,21421	37542
211716_x_at	21422,21423,21424,21425,21426,21427,21428,21429,2
1430,21431,21432	37543
211719_x_at	21433,21434,21435,21436,21437,21438,21439,21440,2
1441,21442,21443	37544
211729_x_at	21444,21445,21446,21447,21448,21449,21450,21451,2
1452,21453,21454	37545
211730_s_at	21455,21456,21457,21458,21459,21460,21461,21462,2
1463,21464,21465	37546
211737_x_at	21466,21467,21468,21469,21470,21471,21472,21473,2
1474,21475,21476	37547
211749_s_at	21477,21478,21479,21480,21481,21482,21483,21484,2
1485,21486,21487	37548
211750_x_at	21488,21489,21490,21491,21492,21493,21494,21495,2
1496,21497,21498	37549
211759_x_at	21499,21500,21501,21502,21503,21504,21505,21506,2
1507,21508,21509	37550
211762_s_at	21510,21511,21512,21513,21514,21515,21516,21517,2
1518,21519,21520	37551,37552
211765_x_at	21521,21522,21523,21524,21525,21526,21527,21528,2
1529,21530,21531	37553
211769_x_at	21532,21533,21534,21535,21536,21537,21538,21539,2
1540,21541,21542	37554
211778_s_at	21543,21544,21545,21546,21547,21548,21549,21550,2
1551,21552,21553	37555
211780_x_at	21554,21555,21556,21557,21558,21559,21560,21561,2
1562,21563,21564	37556
211793_s_at	21565,21566,21567,21568,21569,21570,21571,21572,2
1573,21574,21575	37557
211797_s_at	21576,21577,21578,21579,21580,21581,21582,21583,2
1584,21585,21586	37558
211804_s_at	21587,21588,21589,21590,21591,21592,21593,21594,2
1595,21596,21597	37559

211809_x_at	21598,21599,21600,21601,21602,21603,21604,21605,2
1606,21607,21608	37560
211813_x_at	21609,21610,21611,21612,21613,21614,21615,21616,2
1617,21618,21619	37561
211843_x_at	21620,21621,21622,21623,21624,21625,21626,21627,2
1628,21629,21630	37562
211864_s_at	21631,21632,21633,21634,21635,21636,21637,21638,2
1639,21640,21641	37563
211871_x_at	21642,21643,21644,21645,21646,21647,21648,21649,2
1650,21651,21652	37564
211874_s_at	21653,21654,21655,21656,21657,21658,21659,21660,2
1661,21662,21663	37565
211892_s_at	21664,21665,21666,21667,21668,21669,21670,21671,2
1672,21673,21674	37566
211896_s_at	21675,21676,21677,21678,21679,21680,21681,21682,2
1683,21684,21685	37567
211899_s_at	21686,21687,21688,21689,21690,21691,21692,21693,2
1694,21695,21696	37568
211902_x_at	21697,21698,21699,21700,21701,21702,21703,21704,2
1705,21706,21707	37569
211922_s_at	21708,21709,21710,21711,21712,21713,21714,21715,2
1716,21717,21718	37570
211936_at	21719,21720,21721,21722,21723,21724,21725,21726,217
27,21728,21729	37571
211937_at	21730,21731,21732,21733,21734,21735,21736,21737,217
38,21739,21740	37572
211939_x_at	21741,21742,21743,21744,21745,21746,21747,21748,2
1749,21750,21751	37573
211940_x_at	21752,21753,21754,21755,21756,21757,21758,21759,2
1760,21761,21762	37574
211945_s_at	21763,21764,21765,21766,21767,21768,21769,21770,2
1771,21772,21773	37575
211949_s_at	21774,21775,21776,21777,21778,21779,21780,21781,2
1782,21783,21784	37576
211950_at	21785,21786,21787,21788,21789,21790,21791,21792,217
93,21794,21795	37577
211954_s_at	21796,21797,21798,21799,21800,21801,21802,21803,2
1804,21805,21806	37578
211962_s_at	21807,21808,21809,21810,21811,21812,21813,21814,2
1815,21816,21817	37579
211964_at	21818,21819,21820,21821,21822,21823,21824,21825,218
26,21827,21828	37580
211966_at	21829,21830,21831,21832,21833,21834,21835,21836,218
37,21838,21839	37581
211971_s_at	21840,21841,21842,21843,21844,21845,21846,21847,2
1848,21849,21850	37582
211972_x_at	21851,21852,21853,21854,21855,21856,21857,21858,2
1859,21860,21861	37583
211974_x_at	21862,21863,21864,21865,21866,21867,21868,21869,2
1870,21871,21872	37584

211978_x_at	21873,21874,21875,21876,21877,21878,21879,21880,2
1881,21882,21883	37585
211980_at	21884,21885,21886,21887,21888,21889,21890,21891,218
92,21893,21894	37586
211981_at	21895,21896,21897,21898,21899,21900,21901,21902,219
03,21904,21905	37587
211982_x_at	21906,21907,21908,21909,21910,21911,21912,21913,2
1914,21915,21916	37588
211984_at	21917,21918,21919,21920,21921,21922,21923,21924,219
25,21926,21927	37589
211985_s_at	21928,21929,21930,21931,21932,21933,21934,21935,2
1936,21937,21938	37590
211986_at	21939,21940,21941,21942,21943,21944,21945,21946,219
47,21948,21949	37591
211989_at	21950,21951,21952,21953,21954,21955,21956,21957,219
58,21959,21960	37592
211990_at	21961,21962,21963,21964,21965,21966,21967,21968,219
69,21970,21971	37593
211991_s_at	21972,21973,21974,21975,21976,21977,21978,21979,2
1980,21981,21982	37594
212002_at	21983,21984,21985,21986,21987,21988,21989,21990,219
91,21992,21993	37595
212005_at	21994,21995,21996,21997,21998,21999,22000,22001,220
02,22003,22004	37596
212006_at	22005,22006,22007,22008,22009,22010,22011,22012,220
13,22014,22015	37597
212008_at	22016,22017,22018,22019,22020,22021,22022,22023,220
24,22025,22026	37598
212009_s_at	22027,22028,22029,22030,22031,22032,22033,22034,2
2035,22036,22037	37599
212015_x_at	22038,22039,22040,22041,22042,22043,22044,22045,2
2046,22047,22048	37600
212017_at	22049,22050,22051,22052,22053,22054,22055,22056,220
57,22058,22059	37601
212024_x_at	22060,22061,22062,22063,22064,22065,22066,22067,2
2068,22069,22070	37602
212025_s_at	22071,22072,22073,22074,22075,22076,22077,22078,2
2079,22080,22081	37603
212032_s_at	22082,22083,22084,22085,22086,22087,22088,22089,2
2090,22091,22092	37604
212041_at	22093,22094,22095,22096,22097,22098,22099,22100,221
01,22102,22103	37605
212043_at	22104,22105,22106,22107,22108,22109,22110,22111,221
12,22113,22114	37606
212056_at	22115,22116,22117,22118,22119,22120,22121,22122,221
23,22124,22125	37607
212063_at	22126,22127,22128,22129,22130,22131,22132,22133,221
34,22135,22136	37608
212067_s_at	22137,22138,22139,22140,22141,22142,22143,22144,2
2145,22146,22147	37609

212071_s_at	22148, 22149, 22150, 22151, 22152, 22153, 22154, 22155, 2
2156, 22157, 22158	37610
212076_at	22159, 22160, 22161, 22162, 22163, 22164, 22165, 22166, 221
67, 22168, 22169	37611
212081_x_at	22170, 22171, 22172, 22173, 22174, 22175, 22176, 22177, 2
2178, 22179, 22180	37612
212082_s_at	22181, 22182, 22183, 22184, 22185, 22186, 22187, 22188, 2
2189, 22190, 22191	37613
212085_at	22192, 22193, 22194, 22195, 22196, 22197, 22198, 22199, 222
00, 22201, 22202	37614, 37615
212088_at	22203, 22204, 22205, 22206, 22207, 22208, 22209, 22210, 222
11, 22212, 22213	37616
212091_s_at	22214, 22215, 22216, 22217, 22218, 22219, 22220, 22221, 2
2222, 22223, 22224	37617
212097_at	22225, 22226, 22227, 22228, 22229, 22230, 22231, 22232, 222
33, 22234, 22235	37618
212104_s_at	22236, 22237, 22238, 22239, 22240, 22241, 22242, 22243, 2
2244, 22245, 22246	37619
212111_at	22247, 22248, 22249, 22250, 22251, 22252, 22253, 22254, 222
55, 22256, 22257	37620
212115_at	22258, 22259, 22260, 22261, 22262, 22263, 22264, 22265, 222
66, 22267, 22268	37621
212116_at	22269, 22270, 22271, 22272, 22273, 22274, 22275, 22276, 222
77, 22278, 22279	37622
212117_at	22280, 22281, 22282, 22283, 22284, 22285, 22286, 22287, 222
88, 22289, 22290	37623
212118_at	22291, 22292, 22293, 22294, 22295, 22296, 22297, 22298, 222
99, 22300, 22301	37624
212119_at	22302, 22303, 22304, 22305, 22306, 22307, 22308, 22309, 223
10, 22311, 22312	37625
212120_at	22313, 22314, 22315, 22316, 22317, 22318, 22319, 22320, 223
21, 22322, 22323	37626
212121_at	22324, 22325, 22326, 22327, 22328, 22329, 22330, 22331, 223
32, 22333, 22334	37627
212125_at	22335, 22336, 22337, 22338, 22339, 22340, 22341, 22342, 223
43, 22344, 22345	37628
212127_at	22346, 22347, 22348, 22349, 22350, 22351, 22352, 22353, 223
54, 22355, 22356	37629
212130_x_at	22357, 22358, 22359, 22360, 22361, 22362, 22363, 22364, 2
2365, 22366, 22367	37630
212134_at	22368, 22369, 22370, 22371, 22372, 22373, 22374, 22375, 223
76, 22377, 22378	37631
212135_s_at	22379, 22380, 22381, 22382, 22383, 22384, 22385, 22386, 2
2387, 22388, 22389	37632
212136_at	22390, 22391, 22392, 22393, 22394, 22395, 22396, 22397, 223
98, 22399, 22400	37633
212148_at	22401, 22402, 22403, 22404, 22405, 22406, 22407, 22408, 224
09, 22410, 22411	37634
212149_at	22412, 22413, 22414, 22415, 22416, 22417, 22418, 22419, 224
20, 22421, 22422	37635

212150_at	22423, 22424, 22425, 22426, 22427, 22428, 22429, 22430, 224
31, 22432, 22433	37636
212151_at	22434, 22435, 22436, 22437, 22438, 22439, 22440, 22441, 224
42, 22443, 22444	37637
212154_at	22445, 22446, 22447, 22448, 22449, 22450, 22451, 22452, 224
53, 22454, 22455	37638
212156_at	22456, 22457, 22458, 22459, 22460, 22461, 22462, 22463, 224
64, 22465, 22466	37639
212157_at	22467, 22468, 22469, 22470, 22471, 22472, 22473, 22474, 224
75, 22476, 22477	37640
212168_at	22478, 22479, 22480, 22481, 22482, 22483, 22484, 22485, 224
86, 22487, 22488	37641
212169_at	22489, 22490, 22491, 22492, 22493, 22494, 22495, 22496, 224
97, 22498, 22499	37642
212188_at	22500, 22501, 22502, 22503, 22504, 22505, 22506, 22507, 225
08, 22509, 22510	37643
212190_at	22511, 22512, 22513, 22514, 22515, 22516, 22517, 22518, 225
19, 22520, 22521	37644
212191_x_at	22522, 22523, 22524, 22525, 22526, 22527, 22528, 22529, 2
2530, 22531, 22532	37645
212192_at	22533, 22534, 22535, 22536, 22537, 22538, 22539, 22540, 225
41, 22542, 22543	37646
212197_x_at	22544, 22545, 22546, 22547, 22548, 22549, 22550, 22551, 2
2552, 22553, 22554	37647
212203_x_at	22555, 22556, 22557, 22558, 22559, 22560, 22561, 22562, 2
2563, 22564, 22565	37648
212204_at	22566, 22567, 22568, 22569, 22570, 22571, 22572, 22573, 225
74, 22575, 22576	37649
212206_s_at	22577, 22578, 22579, 22580, 22581, 22582, 22583, 22584, 2
2585, 22586, 22587	37650
212218_s_at	22588, 22589, 22590, 22591, 22592, 22593, 22594, 22595, 2
2596, 22597, 22598	37651
212226_s_at	22599, 22600, 22601, 22602, 22603, 22604, 22605, 22606, 2
2607, 22608, 22609	37652
212227_x_at	22610, 22611, 22612, 22613, 22614, 22615, 22616, 22617, 2
2618, 22619, 22620	37653
212230_at	22621, 22622, 22623, 22624, 22625, 22626, 22627, 22628, 226
29, 22630, 22631	37654
212235_at	22632, 22633, 22634, 22635, 22636, 22637, 22638, 22639, 226
40, 22641, 22642	37655
212236_x_at	22643, 22644, 22645, 22646, 22647, 22648, 22649, 22650, 2
2651, 22652, 22653	37656
212239_at	22654, 22655, 22656, 22657, 22658, 22659, 22660, 22661, 226
62, 22663, 22664	37657
212240_s_at	22665, 22666, 22667, 22668, 22669, 22670, 22671, 22672, 2
2673, 22674, 22675	37658
212241_at	22676, 22677, 22678, 22679, 22680, 22681, 22682, 22683, 226
84, 22685, 22686	37659
212246_at	22687, 22688, 22689, 22690, 22691, 22692, 22693, 22694, 226
95, 22696, 22697	37660

212252_at	22698, 22699, 22700, 22701, 22702, 22703, 22704, 22705, 22706, 22707, 22708
212253_x_at	37661
212253_x_at	22709, 22710, 22711, 22712, 22713, 22714, 22715, 22716, 22717, 22718, 22719
212253_x_at	37662
212254_s_at	22720, 22721, 22722, 22723, 22724, 22725, 22726, 22727, 22728, 22729, 22730
212255_s_at	37663
212255_s_at	22731, 22732, 22733, 22734, 22735, 22736, 22737, 22738, 22739, 22740, 22741
212264_s_at	37664
212264_s_at	22742, 22743, 22744, 22745, 22746, 22747, 22748, 22749, 22750, 22751, 22752
212271_at	37665
212271_at	22753, 22754, 22755, 22756, 22757, 22758, 22759, 22760, 22761, 22762, 22763
212272_at	37666
212272_at	22764, 22765, 22766, 22767, 22768, 22769, 22770, 22771, 22772, 22773, 22774
212274_at	37667
212274_at	22775, 22776, 22777, 22778, 22779, 22780, 22781, 22782, 22783, 22784, 22785
212276_at	37668
212276_at	22786, 22787, 22788, 22789, 22790, 22791, 22792, 22793, 22794, 22795, 22796
212280_x_at	37669
212280_x_at	22797, 22798, 22799, 22800, 22801, 22802, 22803, 22804, 22805, 22806, 22807
212282_at	37670, 37671
212282_at	22808, 22809, 22810, 22811, 22812, 22813, 22814, 22815, 22816, 22817, 22818
212283_at	37672
212283_at	22819, 22820, 22821, 22822, 22823, 22824, 22825, 22826, 22827, 22828, 22829
212288_at	37673
212288_at	22830, 22831, 22832, 22833, 22834, 22835, 22836, 22837, 22838, 22839, 22840
212299_at	37674
212299_at	22841, 22842, 22843, 22844, 22845, 22846, 22847, 22848, 22849, 22850, 22851
212302_at	37675
212302_at	22852, 22853, 22854, 22855, 22856, 22857, 22858, 22859, 22860, 22861, 22862
212312_at	37676
212312_at	22863, 22864, 22865, 22866, 22867, 22868, 22869, 22870, 22871, 22872, 22873
212314_at	37677
212314_at	22874, 22875, 22876, 22877, 22878, 22879, 22880, 22881, 22882, 22883, 22884
212316_at	37678
212316_at	22885, 22886, 22887, 22888, 22889, 22890, 22891, 22892, 22893, 22894, 22895
212320_at	37679
212320_at	22896, 22897, 22898, 22899, 22900, 22901, 22902, 22903, 22904, 22905, 22906
212323_s_at	37680
212323_s_at	22907, 22908, 22909, 22910, 22911, 22912, 22913, 22914, 22915, 22916, 22917
212325_at	37681
212325_at	22918, 22919, 22920, 22921, 22922, 22923, 22924, 22925, 22926, 22927, 22928
212330_at	37682
212330_at	22929, 22930, 22931, 22932, 22933, 22934, 22935, 22936, 22937, 22938, 22939
212333_at	37683
212333_at	22940, 22941, 22942, 22943, 22944, 22945, 22946, 22947, 22948, 22949, 22950
212334_at	37684
212334_at	22951, 22952, 22953, 22954, 22955, 22956, 22957, 22958, 22959, 22960, 22961
212335_at	37685
212335_at	22962, 22963, 22964, 22965, 22966, 22967, 22968, 22969, 22970

70,22971,22972	37686
212344_at	22973,22974,22975,22976,22977,22978,22979,22980,229
81,22982,22983	37687
212347_x_at	22984,22985,22986,22987,22988,22989,22990,22991,2
2992,22993,22994	37688
212354_at	22995,22996,22997,22998,22999,23000,23001,23002,230
03,23004,23005	37689
212358_at	23006,23007,23008,23009,23010,23011,23012,23013,230
14,23015,23016	37690
212361_s_at	23017,23018,23019,23020,23021,23022,23023,23024,2
3025,23026,23027	37691
212371_at	23028,23029,23030,23031,23032,23033,23034,23035,230
36,23037,23038	37692
212376_s_at	23039,23040,23041,23042,23043,23044,23045,23046,2
3047,23048,23049	37693
212378_at	23050,23051,23052,23053,23054,23055,23056,23057,230
58,23059,23060	37694
212391_x_at	23061,23062,23063,23064,23065,23066,23067,23068,2
3069,23070,23071	37695
212396_s_at	23072,23073,23074,23075,23076,23077,23078,23079,2
3080,23081,23082	37696
212400_at	23083,23084,23085,23086,23087,23088,23089,23090,230
91,23092,23093	37697
212408_at	23094,23095,23096,23097,23098,23099,23100,23101,231
02,23103,23104	37698
212409_s_at	23105,23106,23107,23108,23109,23110,23111,23112,2
3113,23114,23115	37699
212411_at	23116,23117,23118,23119,23120,23121,23122,23123,231
24,23125,23126	37700
212412_at	23127,23128,23129,23130,23131,23132,23133,23134,231
35,23136,23137	37701
212419_at	23138,23139,23140,23141,23142,23143,23144,23145,231
46,23147,23148	37702
212423_at	23149,23150,23151,23152,23153,23154,23155,23156,231
57,23158,23159	37703
212430_at	23160,23161,23162,23163,23164,23165,23166,23167,231
68,23169,23170	37704
212432_at	23171,23172,23173,23174,23175,23176,23177,23178,231
79,23180,23181	37705
212434_at	23182,23183,23184,23185,23186,23187,23188,23189,231
90,23191,23192	37706
212436_at	23193,23194,23195,23196,23197,23198,23199,23200,232
01,23202,23203	37707
212438_at	23204,23205,23206,23207,23208,23209,23210,23211,232
12,23213,23214	37708
212445_s_at	23215,23216,23217,23218,23219,23220,23221,23222,2
3223,23224,23225	37709
212449_s_at	23226,23227,23228,23229,23230,23231,23232,23233,2
3234,23235,23236	37710
212452_x_at	23237,23238,23239,23240,23241,23242,23243,23244,2

3245, 23246, 23247	37711
212457_at	23248, 23249, 23250, 23251, 23252, 23253, 23254, 23255, 232
56, 23257, 23258	37712
212470_at	23259, 23260, 23261, 23262, 23263, 23264, 23265, 23266, 232
67, 23268, 23269	37713
212481_s_at	23270, 23271, 23272, 23273, 23274, 23275, 23276, 23277, 2
3278, 23279, 23280	37714
212484_at	23281, 23282, 23283, 23284, 23285, 23286, 23287, 23288, 232
89, 23290, 23291	37715
212488_at	23292, 23293, 23294, 23295, 23296, 23297, 23298, 23299, 233
00, 23301, 23302	37716
212489_at	23303, 23304, 23305, 23306, 23307, 23308, 23309, 23310, 233
11, 23312, 23313	37717
212494_at	23314, 23315, 23316, 23317, 23318, 23319, 23320, 23321, 233
22, 23323, 23324	37718
212497_at	23325, 23326, 23327, 23328, 23329, 23330, 23331, 23332, 233
33, 23334, 23335	37719
212503_s_at	23336, 23337, 23338, 23339, 23340, 23341, 23342, 23343, 2
3344, 23345, 23346	37720
212504_at	23347, 23348, 23349, 23350, 23351, 23352, 23353, 23354, 233
55, 23356, 23357	37721
212508_at	23358, 23359, 23360, 23361, 23362, 23363, 23364, 23365, 233
66, 23367, 23368	37722
212509_s_at	23369, 23370, 23371, 23372, 23373, 23374, 23375, 23376, 2
3377, 23378, 23379	37723
212510_at	23380, 23381, 23382, 23383, 23384, 23385, 23386, 23387, 233
88, 23389, 23390	37724
212526_at	23391, 23392, 23393, 23394, 23395, 23396, 23397, 23398, 233
99, 23400, 23401	37725
212527_at	23402, 23403, 23404, 23405, 23406, 23407, 23408, 23409, 234
10, 23411, 23412	37726
212535_at	23413, 23414, 23415, 23416, 23417, 23418, 23419, 23420, 234
21, 23422, 23423	37727
212539_at	23424, 23425, 23426, 23427, 23428, 23429, 23430, 23431, 234
32, 23433, 23434	37728
212549_at	23435, 23436, 23437, 23438, 23439, 23440, 23441, 23442, 234
43, 23444, 23445	37729
212550_at	23446, 23447, 23448, 23449, 23450, 23451, 23452, 23453, 234
54, 23455, 23456	37730
212551_at	23457, 23458, 23459, 23460, 23461, 23462, 23463, 23464, 234
65, 23466, 23467	37731
212552_at	23468, 23469, 23470, 23471, 23472, 23473, 23474, 23475, 234
76, 23477, 23478	37732
212554_at	23479, 23480, 23481, 23482, 23483, 23484, 23485, 23486, 234
87, 23488, 23489	37733
212557_at	23490, 23491, 23492, 23493, 23494, 23495, 23496, 23497, 234
98, 23499, 23500	37734
212558_at	23501, 23502, 23503, 23504, 23505, 23506, 23507, 23508, 235
09, 23510, 23511	37735
212561_at	23512, 23513, 23514, 23515, 23516, 23517, 23518, 23519, 235

20,23521,23522	37736
212563_at	23523,23524,23525,23526,23527,23528,23529,23530,235
31,23532,23533	37737
212565_at	23534,23535,23536,23537,23538,23539,23540,23541,235
42,23543,23544	37738
212566_at	23545,23546,23547,23548,23549,23550,23551,23552,235
53,23554,23555	37739
212567_s_at	23556,23557,23558,23559,23560,23561,23562,23563,2
3564,23565,23566	37740
212572_at	23567,23568,23569,23570,23571,23572,23573,23574,235
75,23576,23577	37741
212573_at	23578,23579,23580,23581,23582,23583,23584,23585,235
86,23587,23588	37742
212581_x_at	23589,23590,23591,23592,23593,23594,23595,23596,2
3597,23598,23599	37743
212586_at	23600,23601,23602,23603,23604,23605,23606,23607,236
08,23609,23610	37744
212590_at	23611,23612,23613,23614,23615,23616,23617,23618,236
19,23620,23621	37745
212607_at	23622,23623,23624,23625,23626,23627,23628,23629,236
30,23631,23632	37746
212609_s_at	23633,23634,23635,23636,23637,23638,23639,23640,2
3641,23642,23643	37747
212610_at	23644,23645,23646,23647,23648,23649,23650,23651,236
52,23653,23654	37748
212624_s_at	23655,23656,23657,23658,23659,23660,23661,23662,2
3663,23664,23665	37749
212626_x_at	23666,23667,23668,23669,23670,23671,23672,23673,2
3674,23675,23676	37750
212639_x_at	23677,23678,23679,23680,23681,23682,23683,23684,2
3685,23686,23687	37751,37752
212640_at	23688,23689,23690,23691,23692,23693,23694,23695,236
96,23697,23698	37753
212645_x_at	23699,23700,23701,23702,23703,23704,23705,23706,2
3707,23708,23709	37754
212646_at	23710,23711,23712,23713,23714,23715,23716,23717,237
18,23719,23720	37755
212647_at	23721,23722,23723,23724,23725,23726,23727,23728,237
29,23730,23731	37756
212651_at	23732,23733,23734,23735,23736,23737,23738,23739,237
40,23741,23742	37757
212652_s_at	23743,23744,23745,23746,23747,23748,23749,23750,2
3751,23752,23753	37758
212653_s_at	23754,23755,23756,23757,23758,23759,23760,23761,2
3762,23763,23764	37759
212656_at	23765,23766,23767,23768,23769,23770,23771,23772,237
73,23774,23775	37760
212658_at	23776,23777,23778,23779,23780,23781,23782,23783,237
84,23785,23786	37761
212661_x_at	23787,23788,23789,23790,23791,23792,23793,23794,2

3795,23796,23797	37762
212667_at	23798,23799,23800,23801,23802,23803,23804,23805,238
06,23807,23808	37763
212669_at	23809,23810,23811,23812,23813,23814,23815,23816,238
17,23818,23819	37764
212670_at	23820,23821,23822,23823,23824,23825,23826,23827,238
28,23829,23830	37765
212680_x_at	23831,23832,23833,23834,23835,23836,23837,23838,2
3839,23840,23841	37766
212685_s_at	23842,23843,23844,23845,23846,23847,23848,23849,2
3850,23851,23852	37767
212690_at	23853,23854,23855,23856,23857,23858,23859,23860,238
61,23862,23863	37768
212694_s_at	23864,23865,23866,23867,23868,23869,23870,23871,2
3872,23873,23874	37769
212695_at	23875,23876,23877,23878,23879,23880,23881,23882,238
83,23884,23885	37770
212697_at	23886,23887,23888,23889,23890,23891,23892,23893,238
94,23895,23896	37771
212698_s_at	23897,23898,23899,23900,23901,23902,23903,23904,2
3905,23906,23907	37772
212713_at	23908,23909,23910,23911,23912,23913,23914,23915,239
16,23917,23918	37773
212720_at	23919,23920,23921,23922,23923,23924,23925,23926,239
27,23928,23929	37774
212724_at	23930,23931,23932,23933,23934,23935,23936,23937,239
38,23939,23940	37775
212730_at	23941,23942,23943,23944,23945,23946,23947,23948,239
49,23950,23951	37776
212736_at	23952,23953,23954,23955,23956,23957,23958,23959,239
60,23961,23962	37777
212739_s_at	23963,23964,23965,23966,23967,23968,23969,23970,2
3971,23972,23973	37778
212740_at	23974,23975,23976,23977,23978,23979,23980,23981,239
82,23983,23984	37779
212744_at	23985,23986,23987,23988,23989,23990,23991,23992,239
93,23994,23995	37780
212747_at	23996,23997,23998,23999,24000,24001,24002,24003,240
04,24005,24006	37781
212757_s_at	24007,24008,24009,24010,24011,24012,24013,24014,2
4015,24016,24017	37782
212758_s_at	24018,24019,24020,24021,24022,24023,24024,24025,2
4026,24027,24028	37783
212764_at	24029,24030,24031,24032,24033,24034,24035,24036,240
37,24038,24039	37784
212765_at	24040,24041,24042,24043,24044,24045,24046,24047,240
48,24049,24050	37785
212767_at	24051,24052,24053,24054,24055,24056,24057,24058,240
59,24060,24061	37786
212772_s_at	24062,24063,24064,24065,24066,24067,24068,24069,2

4070, 24071, 24072	37787
212773_s_at	24073, 24074, 24075, 24076, 24077, 24078, 24079, 24080, 2
4081, 24082, 24083	37788
212774_at	24084, 24085, 24086, 24087, 24088, 24089, 24090, 24091, 240
92, 24093, 24094	37789
212782_x_at	24095, 24096, 24097, 24098, 24099, 24100, 24101, 24102, 2
4103, 24104, 24105	37790
212790_x_at	24106, 24107, 24108, 24109, 24110, 24111, 24112, 24113, 2
4114, 24115, 24116	37791
212792_at	24117, 24118, 24119, 24120, 24121, 24122, 24123, 24124, 241
25, 24126, 24127	37792
212793_at	24128, 24129, 24130, 24131, 24132, 24133, 24134, 24135, 241
36, 24137, 24138	37793
212798_s_at	24139, 24140, 24141, 24142, 24143, 24144, 24145, 24146, 2
4147, 24148, 24149	37794
212803_at	24150, 24151, 24152, 24153, 24154, 24155, 24156, 24157, 241
58, 24159, 24160	37795
212807_s_at	24161, 24162, 24163, 24164, 24165, 24166, 24167, 24168, 2
4169, 24170, 24171	37796
212813_at	24172, 24173, 24174, 24175, 24176, 24177, 24178, 24179, 241
80, 24181, 24182	37797
212817_at	24183, 24184, 24185, 24186, 24187, 24188, 24189, 24190, 241
91, 24192, 24193	37798
212822_at	24194, 24195, 24196, 24197, 24198, 24199, 24200, 24201, 242
02, 24203, 24204	37799
212826_s_at	24205, 24206, 24207, 24208, 24209, 24210, 24211, 24212, 2
4213, 24214, 24215	37800, 37801
212832_s_at	24216, 24217, 24218, 24219, 24220, 24221, 24222, 24223, 2
4224, 24225, 24226	37802
212833_at	24227, 24228, 24229, 24230, 24231, 24232, 24233, 24234, 242
35, 24236, 24237	37803
212838_at	24238, 24239, 24240, 24241, 24242, 24243, 24244, 24245, 242
46, 24247, 24248	37804
212841_s_at	24249, 24250, 24251, 24252, 24253, 24254, 24255, 24256, 2
4257, 24258, 24259	37805
212843_at	24260, 24261, 24262, 24263, 24264, 24265, 24266, 24267, 242
68, 24269, 24270	37806
212845_at	24271, 24272, 24273, 24274, 24275, 24276, 24277, 24278, 242
79, 24280, 24281	37807
212848_s_at	24282, 24283, 24284, 24285, 24286, 24287, 24288, 24289, 2
4290, 24291, 24292	37808
212851_at	24293, 24294, 24295, 24296, 24297, 24298, 24299, 24300, 243
01, 24302, 24303	37809
212858_at	24304, 24305, 24306, 24307, 24308, 24309, 24310, 24311, 243
12, 24313, 24314	37810
212859_x_at	24315, 24316, 24317, 24318, 24319, 24320, 24321, 24322, 2
4323, 24324, 24325	37811
212865_s_at	24326, 24327, 24328, 24329, 24330, 24331, 24332, 24333, 2
4334, 24335, 24336	37812
212875_s_at	24337, 24338, 24339, 24340, 24341, 24342, 24343, 24344, 2

4345,24346,24347	37813
212878_s_at	24348,24349,24350,24351,24352,24353,24354,24355,2
4356,24357,24358	37814
212884_x_at	24359,24360,24361,24362,24363,24364,24365,24366,2
4367,24368,24369	37815
212886_at	24370,24371,24372,24373,24374,24375,24376,24377,243
78,24379,24380	37816
212902_at	24381,24382,24383,24384,24385,24386,24387,24388,243
89,24390,24391	37817
212914_at	24392,24393,24394,24395,24396,24397,24398,24399,244
00,24401,24402	37818
212915_at	24403,24404,24405,24406,24407,24408,24409,24410,244
11,24412,24413	37819
212931_at	24414,24415,24416,24417,24418,24419,24420,24421,244
22,24423,24424	37820
212937_s_at	24425,24426,24427,24428,24429,24430,24431,24432,2
4433,24434,24435	37821
212956_at	24436,24437,24438,24439,24440,24441,24442,24443,244
44,24445,24446	37822
212961_x_at	24447,24448,24449,24450,24451,24452,24453,24454,2
4455,24456,24457	37823
212972_x_at	24458,24459,24460,24461,24462,24463,24464,24465,2
4466,24467,24468	37824
212973_at	24469,24470,24471,24472,24473,24474,24475,24476,244
77,24478,24479	37825
212977_at	24480,24481,24482,24483,24484,24485,24486,24487,244
88,24489,24490	37826
212986_s_at	24491,24492,24493,24494,24495,24496,24497,24498,2
4499,24500,24501	37827
212992_at	24502,24503,24504,24505,24506,24507,24508,24509,245
10,24511,24512	37828
212995_x_at	24513,24514,24515,24516,24517,24518,24519,24520,2
4521,24522,24523	37829
212998_x_at	24524,24525,24526,24527,24528,24529,24530,24531,2
4532,24533,24534	37830
213001_at	24535,24536,24537,24538,24539,24540,24541,24542,245
43,24544,24545	37831
213004_at	24546,24547,24548,24549,24550,24551,24552,24553,245
54,24555,24556	37832
213005_s_at	24557,24558,24559,24560,24561,24562,24563,24564,2
4565,24566,24567	37833
213010_at	24568,24569,24570,24571,24572,24573,24574,24575,245
76,24577,24578	37834
213011_s_at	24579,24580,24581,24582,24583,24584,24585,24586,2
4587,24588,24589	37835
213026_at	24590,24591,24592,24593,24594,24595,24596,24597,245
98,24599,24600	37836
213030_s_at	24601,24602,24603,24604,24605,24606,24607,24608,2
4609,24610,24611	37837
213041_s_at	24612,24613,24614,24615,24616,24617,24618,24619,2

4620, 24621, 24622	37838
213059_at	24623, 24624, 24625, 24626, 24627, 24628, 24629, 24630, 246
31, 24632, 24633	37839
213061_s_at	24634, 24635, 24636, 24637, 24638, 24639, 24640, 24641, 2
4642, 24643, 24644	37840
213062_at	24645, 24646, 24647, 24648, 24649, 24650, 24651, 24652, 246
53, 24654, 24655	37841
213066_at	24656, 24657, 24658, 24659, 24660, 24661, 24662, 24663, 246
64, 24665, 24666	37842
213068_at	24667, 24668, 24669, 24670, 24671, 24672, 24673, 24674, 246
75, 24676, 24677	37843
213071_at	24678, 24679, 24680, 24681, 24682, 24683, 24684, 24685, 246
86, 24687, 24688	37844
213075_at	24689, 24690, 24691, 24692, 24693, 24694, 24695, 24696, 246
97, 24698, 24699	37845
213079_at	24700, 24701, 24702, 24703, 24704, 24705, 24706, 24707, 247
08, 24709, 24710	37846
213086_s_at	24711, 24712, 24713, 24714, 24715, 24716, 24717, 24718, 2
4719, 24720, 24721	37847
213093_at	24722, 24723, 24724, 24725, 24726, 24727, 24728, 24729, 247
30, 24731, 24732	37848
213102_at	24733, 24734, 24735, 24736, 24737, 24738, 24739, 24740, 247
41, 24742, 24743	37849
213107_at	24744, 24745, 24746, 24747, 24748, 24749, 24750, 24751, 247
52, 24753, 24754	37850
213110_s_at	24755, 24756, 24757, 24758, 24759, 24760, 24761, 24762, 2
4763, 24764, 24765	37851
213113_s_at	24766, 24767, 24768, 24769, 24770, 24771, 24772, 24773, 2
4774, 24775, 24776	37852
213115_at	24777, 24778, 24779, 24780, 24781, 24782, 24783, 24784, 247
85, 24786, 24787	37853
213129_s_at	24788, 24789, 24790, 24791, 24792, 24793, 24794, 24795, 2
4796, 24797, 24798	37854
213133_s_at	24799, 24800, 24801, 24802, 24803, 24804, 24805, 24806, 2
4807, 24808, 24809	37855
213134_x_at	24810, 24811, 24812, 24813, 24814, 24815, 24816, 24817, 2
4818, 24819, 24820	37856
213138_at	24821, 24822, 24823, 24824, 24825, 24826, 24827, 24828, 248
29, 24830, 24831	37857
213139_at	24832, 24833, 24834, 24835, 24836, 24837, 24838, 24839, 248
40, 24841, 24842	37858
213151_s_at	24843, 24844, 24845, 24846, 24847, 24848, 24849, 24850, 2
4851, 24852, 24853	37859
213152_s_at	24854, 24855, 24856, 24857, 24858, 24859, 24860, 24861, 2
4862, 24863, 24864	37860
213154_s_at	24865, 24866, 24867, 24868, 24869, 24870, 24871, 24872, 2
4873, 24874, 24875	37861
213166_x_at	24876, 24877, 24878, 24879, 24880, 24881, 24882, 24883, 2
4884, 24885, 24886	37862

213170_at	24887, 24888, 24889, 24890, 24891, 24892, 24893, 24894, 248
95, 24896, 24897	37863
213175_s_at	24898, 24899, 24900, 24901, 24902, 24903, 24904, 24905, 2
4906, 24907, 24908	37864
213176_s_at	24909, 24910, 24911, 24912, 24913, 24914, 24915, 24916, 2
4917, 24918, 24919	37865
213181_s_at	24920, 24921, 24922, 24923, 24924, 24925, 24926, 24927, 2
4928, 24929, 24930	37866
213187_x_at	24931, 24932, 24933, 24934, 24935, 24936, 24937, 24938, 2
4939, 24940, 24941	37867
213189_at	24942, 24943, 24944, 24945, 24946, 24947, 24948, 24949, 249
50, 24951, 24952	37868
213190_at	24953, 24954, 24955, 24956, 24957, 24958, 24959, 24960, 249
61, 24962, 24963	37869
213193_x_at	24964, 24965, 24966, 24967, 24968, 24969, 24970, 24971, 2
4972, 24973, 24974	37870
213203_at	24975, 24976, 24977, 24978, 24979, 24980, 24981, 24982, 249
83, 24984, 24985	37871
213246_at	24986, 24987, 24988, 24989, 24990, 24991, 24992, 24993, 249
94, 24995, 24996	37872
213249_at	24997, 24998, 24999, 25000, 25001, 25002, 25003, 25004, 250
05, 25006, 25007	37873
213252_at	25008, 25009, 25010, 25011, 25012, 25013, 25014, 25015, 250
16, 25017, 25018	37874
213260_at	25019, 25020, 25021, 25022, 25023, 25024, 25025, 25026, 250
27, 25028, 25029	37875
213275_x_at	25030, 25031, 25032, 25033, 25034, 25035, 25036, 25037, 2
5038, 25039, 25040	37876
213280_at	25041, 25042, 25043, 25044, 25045, 25046, 25047, 25048, 250
49, 25050, 25051	37877
213285_at	25052, 25053, 25054, 25055, 25056, 25057, 25058, 25059, 250
60, 25061, 25062	37878
213287_s_at	25063, 25064, 25065, 25066, 25067, 25068, 25069, 25070, 2
5071, 25072, 25073	37879
213290_at	25074, 25075, 25076, 25077, 25078, 25079, 25080, 25081, 250
82, 25083, 25084	37880
213292_s_at	25085, 25086, 25087, 25088, 25089, 25090, 25091, 25092, 2
5093, 25094, 25095	37881
213293_s_at	25096, 25097, 25098, 25099, 25100, 25101, 25102, 25103, 2
5104, 25105, 25106	37882
213306_at	25107, 25108, 25109, 25110, 25111, 25112, 25113, 25114, 251
15, 25116, 25117	37883
213307_at	25118, 25119, 25120, 25121, 25122, 25123, 25124, 25125, 251
26, 25127, 25128	37884
213315_x_at	25129, 25130, 25131, 25132, 25133, 25134, 25135, 25136, 2
5137, 25138, 25139	37885
213325_at	25140, 25141, 25142, 25143, 25144, 25145, 25146, 25147, 251
48, 25149, 25150	37886
213338_at	25151, 25152, 25153, 25154, 25155, 25156, 25157, 25158, 251
59, 25160, 25161	37887

213366_x_at	25162, 25163, 25164, 25165, 25166, 25167, 25168, 25169, 2
5170, 25171, 25172	37888
213371_at	25173, 25174, 25175, 25176, 25177, 25178, 25179, 25180, 251
81, 25182, 25183	37889
213379_at	25184, 25185, 25186, 25187, 25188, 25189, 25190, 25191, 251
92, 25193, 25194	37890
213395_at	25195, 25196, 25197, 25198, 25199, 25200, 25201, 25202, 252
03, 25204, 25205	37891
213399_x_at	25206, 25207, 25208, 25209, 25210, 25211, 25212, 25213, 2
5214, 25215, 25216	37892
213400_s_at	25217, 25218, 25219, 25220, 25221, 25222, 25223, 25224, 2
5225, 25226, 25227	37893
213410_at	25228, 25229, 25230, 25231, 25232, 25233, 25234, 25235, 252
36, 25237, 25238	37894
213417_at	25239, 25240, 25241, 25242, 25243, 25244, 25245, 25246, 252
47, 25248, 25249	37895
213422_s_at	25250, 25251, 25252, 25253, 25254, 25255, 25256, 25257, 2
5258, 25259, 25260	37896
213423_x_at	25261, 25262, 25263, 25264, 25265, 25266, 25267, 25268, 2
5269, 25270, 25271	37897
213428_s_at	25272, 25273, 25274, 25275, 25276, 25277, 25278, 25279, 2
5280, 25281, 25282	37898
213434_at	25283, 25284, 25285, 25286, 25287, 25288, 25289, 25290, 252
91, 25292, 25293	37899
213446_s_at	25294, 25295, 25296, 25297, 25298, 25299, 25300, 25301, 2
5302, 25303, 25304	37900
213453_x_at	25305, 25306, 25307, 25308, 25309, 25310, 25311, 25312, 2
5313, 25314, 25315	37901
213462_at	25316, 25317, 25318, 25319, 25320, 25321, 25322, 25323, 253
24, 25325, 25326	37902
213476_x_at	25327, 25328, 25329, 25330, 25331, 25332, 25333, 25334, 2
5335, 25336, 25337	37903
213485_s_at	25338, 25339, 25340, 25341, 25342, 25343, 25344, 25345, 2
5346, 25347, 25348	37904
213492_at	25349, 25350, 25351, 25352, 25353, 25354, 25355, 25356, 253
57, 25358, 25359	37905
213497_at	25360, 25361, 25362, 25363, 25364, 25365, 25366, 25367, 253
68, 25369, 25370	37906
213506_at	25371, 25372, 25373, 25374, 25375, 25376, 25377, 25378, 253
79, 25380, 25381	37907
213519_s_at	25382, 25383, 25384, 25385, 25386, 25387, 25388, 25389, 2
5390, 25391, 25392	37908
213524_s_at	25393, 25394, 25395, 25396, 25397, 25398, 25399, 25400, 2
5401, 25402, 25403	37909
213541_s_at	25404, 25405, 25406, 25407, 25408, 25409, 25410, 25411, 2
5412, 25413, 25414	37910
213543_at	25415, 25416, 25417, 25418, 25419, 25420, 25421, 25422, 254
23, 25424, 25425	37911
213547_at	25426, 25427, 25428, 25429, 25430, 25431, 25432, 25433, 254
34, 25435, 25436	37912

213566_at	25437, 25438, 25439, 25440, 25441, 25442, 25443, 25444, 254
45, 25446, 25447	37913
213568_at	25448, 25449, 25450, 25451, 25452, 25453, 25454, 25455, 254
56, 25457, 25458	37914
213572_s_at	25459, 25460, 25461, 25462, 25463, 25464, 25465, 25466, 2
5467, 25468, 25469	37915
213581_at	25470, 25471, 25472, 25473, 25474, 25475, 25476, 25477, 254
78, 25479, 25480	37916
213594_x_at	25481, 25482, 25483, 25484, 25485, 25486, 25487, 25488, 2
5489, 25490, 25491	37917, 37918
213600_at	25492, 25493, 25494, 25495, 25496, 25497, 25498, 25499, 255
00, 25501, 25502	37919
213607_x_at	25503, 25504, 25505, 25506, 25507, 25508, 25509, 25510, 2
5511, 25512, 25513	37920
213617_s_at	25514, 25515, 25516, 25517, 25518, 25519, 25520, 25521, 2
5522, 25523, 25524	37921
213620_s_at	25525, 25526, 25527, 25528, 25529, 25530, 25531, 25532, 2
5533, 25534, 25535	37922
213624_at	25536, 25537, 25538, 25539, 25540, 25541, 25542, 25543, 255
44, 25545, 25546	37923
213630_at	25547, 25548, 25549, 25550, 25551, 25552, 25553, 25554, 255
55, 25556, 25557	37924
213646_x_at	25558, 25559, 25560, 25561, 25562, 25563, 25564, 25565, 2
5566, 25567, 25568	37925
213656_s_at	25569, 25570, 25571, 25572, 25573, 25574, 25575, 25576, 2
5577, 25578, 25579	37926
213687_s_at	25580, 25581, 25582, 25583, 25584, 25585, 25586, 25587, 2
5588, 25589, 25590	37927
213688_at	25591, 25592, 25593, 25594, 25595, 25596, 25597, 25598, 255
99, 25600, 25601	37928
213702_x_at	25602, 25603, 25604, 25605, 25606, 25607, 25608, 25609, 2
5610, 25611, 25612	37929
213716_s_at	25613, 25614, 25615, 25616, 25617, 25618, 25619, 25620, 2
5621, 25622, 25623	37930
213726_x_at	25624, 25625, 25626, 25627, 25628, 25629, 25630, 25631, 2
5632, 25633, 25634	37931
213735_s_at	25635, 25636, 25637, 25638, 25639, 25640, 25641, 25642, 2
5643, 25644, 25645	37932
213738_s_at	25646, 25647, 25648, 25649, 25650, 25651, 25652, 25653, 2
5654, 25655, 25656	37933
213741_s_at	25657, 25658, 25659, 25660, 25661, 25662, 25663, 25664, 2
5665, 25666, 25667	37934
213744_at	25668, 25669, 25670, 25671, 25672, 25673, 25674, 25675, 256
76, 25677, 25678	37935
213746_s_at	25679, 25680, 25681, 25682, 25683, 25684, 25685, 25686, 2
5687, 25688, 25689	37936
213749_at	25690, 25691, 25692, 25693, 25694, 25695, 25696, 25697, 256
98, 25699, 25700	37937
213762_x_at	25701, 25702, 25703, 25704, 25705, 25706, 25707, 25708, 2
5709, 25710, 25711	37938

213787_s_at	25712,25713,25714,25715,25716,25717,25718,25719,2
5720,25721,25722	37939
213791_at	25723,25724,25725,25726,25727,25728,25729,25730,257
31,25732,25733	37940
213792_s_at	25734,25735,25736,25737,25738,25739,25740,25741,2
5742,25743,25744	37941
213798_s_at	25745,25746,25747,25748,25749,25750,25751,25752,2
5753,25754,25755	37942
213800_at	25756,25757,25758,25759,25760,25761,25762,25763,257
64,25765,25766	37943
213804_at	25767,25768,25769,25770,25771,25772,25773,25774,257
75,25776,25777	37944
213811_x_at	25778,25779,25780,25781,25782,25783,25784,25785,2
5786,25787,25788	37945
213828_x_at	25789,25790,25791,25792,25793,25794,25795,25796,2
5797,25798,25799	37946
213844_at	25800,25801,25802,25803,25804,25805,25806,25807,258
08,25809,25810	37947
213857_s_at	25811,25812,25813,25814,25815,25816,25817,25818,2
5819,25820,25821	37948
213875_x_at	25822,25823,25824,25825,25826,25827,25828,25829,2
5830,25831,25832	37949
213887_s_at	25833,25834,25835,25836,25837,25838,25839,25840,2
5841,25842,25843	37950
213892_s_at	25844,25845,25846,25847,25848,25849,25850,25851,2
5852,25853,25854	37951
213894_at	25855,25856,25857,25858,25859,25860,25861,25862,258
63,25864,25865	37952
213897_s_at	25866,25867,25868,25869,25870,25871,25872,25873,2
5874,25875,25876	37953
213901_x_at	25877,25878,25879,25880,25881,25882,25883,25884,2
5885,25886,25887	37954
213902_at	25888,25889,25890,25891,25892,25893,25894,25895,258
96,25897,25898	37955
213911_s_at	25899,25900,25901,25902,25903,25904,25905,25906,2
5907,25908,25909	37956
213931_at	25910,25911,25912,25913,25914,25915,25916,25917,259
18,25919,25920	37957
213947_s_at	25921,25922,25923,25924,25925,25926,25927,25928,2
5929,25930,25931	37958
213958_at	25932,25933,25934,25935,25936,25937,25938,25939,259
40,25941,25942	37959
213971_s_at	25943,25944,25945,25946,25947,25948,25949,25950,2
5951,25952,25953	37960
213974_at	25954,25955,25956,25957,25958,25959,25960,25961,259
62,25963,25964	37961
213982_s_at	25965,25966,25967,25968,25969,25970,25971,25972,2
5973,25974,25975	37962
213988_s_at	25976,25977,25978,25979,25980,25981,25982,25983,2
5984,25985,25986	37963

213992_at	25987, 25988, 25989, 25990, 25991, 25992, 25993, 25994, 259
95, 25996, 25997	37964
213993_at	25998, 25999, 26000, 26001, 26002, 26003, 26004, 26005, 260
06, 26007, 26008	37965
213994_s_at	26009, 26010, 26011, 26012, 26013, 26014, 26015, 26016, 2
6017, 26018, 26019	37966
213996_at	26020, 26021, 26022, 26023, 26024, 26025, 26026, 26027, 260
28, 26029, 26030	37967
214003_x_at	26031, 26032, 26033, 26034, 26035, 26036, 26037, 26038, 2
6039, 26040, 26041	37968
214027_x_at	26042, 26043, 26044, 26045, 26046, 26047, 26048, 26049, 2
6050, 26051, 26052	37969
214033_at	26053, 26054, 26055, 26056, 26057, 26058, 26059, 26060, 260
61, 26062, 26063	37970, 37971
214040_s_at	26064, 26065, 26066, 26067, 26068, 26069, 26070, 26071, 2
6072, 26073, 26074	37972
214092_x_at	26075, 26076, 26077, 26078, 26079, 26080, 26081, 26082, 2
6083, 26084, 26085	37973
214107_x_at	26086, 26087, 26088, 26089, 26090, 26091, 26092, 26093, 2
6094, 26095, 26096	37974
214110_s_at	26097, 26098, 26099, 26100, 26101, 26102, 26103, 26104, 2
6105, 26106, 26107	37975
214112_s_at	26108, 26109, 26110, 26111, 26112, 26113, 26114, 26115, 2
6116, 26117, 26118	37976
214117_s_at	26119, 26120, 26121, 26122, 26123, 26124, 26125, 26126, 2
6127, 26128, 26129	37977
214167_s_at	26130, 26131, 26132, 26133, 26134, 26135, 26136, 26137, 2
6138, 26139, 26140	37978
214170_x_at	26141, 26142, 26143, 26144, 26145, 26146, 26147, 26148, 2
6149, 26150, 26151	37979
214172_x_at	26152, 26153, 26154, 26155, 26156, 26157, 26158, 26159, 2
6160, 26161, 26162	37980
214173_x_at	26163, 26164, 26165, 26166, 26167, 26168, 26169, 26170, 2
6171, 26172, 26173	37981
214212_x_at	26174, 26175, 26176, 26177, 26178, 26179, 26180, 26181, 2
6182, 26183, 26184	37982
214214_s_at	26185, 26186, 26187, 26188, 26189, 26190, 26191, 26192, 2
6193, 26194, 26195	37983
214240_at	26196, 26197, 26198, 26199, 26200, 26201, 26202, 26203, 262
04, 26205, 26206	37984
214243_s_at	26207, 26208, 26209, 26210, 26211, 26212, 26213, 26214, 2
6215, 26216, 26217	37985
214247_s_at	26218, 26219, 26220, 26221, 26222, 26223, 26224, 26225, 2
6226, 26227, 26228	37986
214258_x_at	26229, 26230, 26231, 26232, 26233, 26234, 26235, 26236, 2
6237, 26238, 26239	37987
214264_s_at	26240, 26241, 26242, 26243, 26244, 26245, 26246, 26247, 2
6248, 26249, 26250	37988
214265_at	26251, 26252, 26253, 26254, 26255, 26256, 26257, 26258, 262
59, 26260, 26261	37989

214266_s_at	26262, 26263, 26264, 26265, 26266, 26267, 26268, 26269, 2
6270, 26271, 26272	37990
214271_x_at	26273, 26274, 26275, 26276, 26277, 26278, 26279, 26280, 2
6281, 26282, 26283	37991
214274_s_at	26284, 26285, 26286, 26287, 26288, 26289, 26290, 26291, 2
6292, 26293, 26294	37992
214279_s_at	26295, 26296, 26297, 26298, 26299, 26300, 26301, 26302, 2
6303, 26304, 26305	37993
214290_s_at	26306, 26307, 26308, 26309, 26310, 26311, 26312, 26313, 2
6314, 26315, 26316	37994, 37995
214307_at	26317, 26318, 26319, 26320, 26321, 26322, 26323, 26324, 263
25, 26326, 26327	37996, 37997
214308_s_at	26328, 26329, 26330, 26331, 26332, 26333, 26334, 26335, 2
6336, 26337, 26338	37998, 37999
214310_s_at	26339, 26340, 26341, 26342, 26343, 26344, 26345, 26346, 2
6347, 26348, 26349	38000
214336_s_at	26350, 26351, 26352, 26353, 26354, 26355, 26356, 26357, 2
6358, 26359, 26360	38001
214348_at	26361, 26362, 26363, 26364, 26365, 26366, 26367, 26368, 263
69, 26370, 26371	38002
214428_x_at	26372, 26373, 26374, 26375, 26376, 26377, 26378, 26379, 2
6380, 26381, 26382	38003
214431_at	26383, 26384, 26385, 26386, 26387, 26388, 26389, 26390, 263
91, 26392, 26393	38004
214439_x_at	26394, 26395, 26396, 26397, 26398, 26399, 26400, 26401, 2
6402, 26403, 26404	38005
214442_s_at	26405, 26406, 26407, 26408, 26409, 26410, 26411, 26412, 2
6413, 26414, 26415	38006
214446_at	26416, 26417, 26418, 26419, 26420, 26421, 26422, 26423, 264
24, 26425, 26426	38007
214449_s_at	26427, 26428, 26429, 26430, 26431, 26432, 26433, 26434, 2
6435, 26436, 26437	38008
214455_at	26438, 26439, 26440, 26441, 26442, 26443, 26444, 26445, 264
46, 26447, 26448	38009
214463_x_at	26449, 26450, 26451, 26452, 26453, 26454, 26455, 26456, 2
6457, 26458, 26459	38010
214464_at	26460, 26461, 26462, 26463, 26464, 26465, 26466, 26467, 264
68, 26469, 26470	38011
214469_at	26471, 26472, 26473, 26474, 26475, 26476, 26477, 26478, 264
79, 26480, 26481	38012
214483_s_at	26482, 26483, 26484, 26485, 26486, 26487, 26488, 26489, 2
6490, 26491, 26492	38013
214484_s_at	26493, 26494, 26495, 26496, 26497, 26498, 26499, 26500, 2
6501, 26502, 26503	38014
214494_s_at	26504, 26505, 26506, 26507, 26508, 26509, 26510, 26511, 2
6512, 26513, 26514	38015
214496_x_at	26515, 26516, 26517, 26518, 26519, 26520, 26521, 26522, 2
6523, 26524, 26525	38016
214500_at	26526, 26527, 26528, 26529, 26530, 26531, 26532, 26533, 265
34, 26535, 26536	38017

214501_s_at	26537, 26538, 26539, 26540, 26541, 26542, 26543, 26544, 2
6545, 26546, 26547	38018
214505_s_at	26548, 26549, 26550, 26551, 26552, 26553, 26554, 26555, 2
6556, 26557, 26558	38019
214507_s_at	26559, 26560, 26561, 26562, 26563, 26564, 26565, 26566, 2
6567, 26568, 26569	38020
214508_x_at	26570, 26571, 26572, 26573, 26574, 26575, 26576, 26577, 2
6578, 26579, 26580	38021
214510_at	26581, 26582, 26583, 26584, 26585, 26586, 26587, 26588, 265
89, 26590, 26591	38022
214522_x_at	26592, 26593, 26594, 26595, 26596, 26597, 26598, 26599, 2
6600, 26601, 26602	38023
214531_s_at	26603, 26604, 26605, 26606, 26607, 26608, 26609, 26610, 2
6611, 26612, 26613	38024
214542_x_at	26614, 26615, 26616, 26617, 26618, 26619, 26620, 26621, 2
6622, 26623, 26624	38025
214543_x_at	26625, 26626, 26627, 26628, 26629, 26630, 26631, 26632, 2
6633, 26634, 26635	38026
214577_at	26636, 26637, 26638, 26639, 26640, 26641, 26642, 26643, 266
44, 26645, 26646	38027
214582_at	26647, 26648, 26649, 26650, 26651, 26652, 26653, 26654, 266
55, 26656, 26657	38028
214598_at	26658, 26659, 26660, 26661, 26662, 26663, 26664, 26665, 266
66, 26667, 26668	38029
214643_x_at	26669, 26670, 26671, 26672, 26673, 26674, 26675, 26676, 2
6677, 26678, 26679	38030
214687_x_at	26680, 26681, 26682, 26683, 26684, 26685, 26686, 26687, 2
6688, 26689, 26690	38031
214694_at	26691, 26692, 26693, 26694, 26695, 26696, 26697, 26698, 266
99, 26700, 26701	38032
214720_x_at	26702, 26703, 26704, 26705, 26706, 26707, 26708, 26709, 2
6710, 26711, 26712	38033
214724_at	26713, 26714, 26715, 26716, 26717, 26718, 26719, 26720, 267
21, 26722, 26723	38034
214726_x_at	26724, 26725, 26726, 26727, 26728, 26729, 26730, 26731, 2
6732, 26733, 26734	38035
214737_x_at	26735, 26736, 26737, 26738, 26739, 26740, 26741, 26742, 2
6743, 26744, 26745	38036
214738_s_at	26746, 26747, 26748, 26749, 26750, 26751, 26752, 26753, 2
6754, 26755, 26756	38037
214752_x_at	26757, 26758, 26759, 26760, 26761, 26762, 26763, 26764, 2
6765, 26766, 26767	38038
214760_at	26768, 26769, 26770, 26771, 26772, 26773, 26774, 26775, 267
76, 26777, 26778	38039
214761_at	26779, 26780, 26781, 26782, 26783, 26784, 26785, 26786, 267
87, 26788, 26789	38040
214765_s_at	26790, 26791, 26792, 26793, 26794, 26795, 26796, 26797, 2
6798, 26799, 26800	38041
214771_x_at	26801, 26802, 26803, 26804, 26805, 26806, 26807, 26808, 2
6809, 26810, 26811	38042

214774_x_at	26812,26813,26814,26815,26816,26817,26818,26819,2
6820,26821,26822	38043
214784_x_at	26823,26824,26825,26826,26827,26828,26829,26830,2
6831,26832,26833	38044
214789_x_at	26834,26835,26836,26837,26838,26839,26840,26841,2
6842,26843,26844	38045
214812_s_at	26845,26846,26847,26848,26849,26850,26851,26852,2
6853,26854,26855	38046
214845_s_at	26856,26857,26858,26859,26860,26861,26862,26863,2
6864,26865,26866	38047
214875_x_at	26867,26868,26869,26870,26871,26872,26873,26874,2
6875,26876,26877	38048
214882_s_at	26878,26879,26880,26881,26882,26883,26884,26885,2
6886,26887,26888	38049
214889_at	26889,26890,26891,26892,26893,26894,26895,26896,268
97,26898,26899	38050
214894_x_at	26900,26901,26902,26903,26904,26905,26906,26907,2
6908,26909,26910	38051
214909_s_at	26911,26912,26913,26914,26915,26916,26917,26918,2
6919,26920,26921	38052
214919_s_at	26922,26923,26924,26925,26926,26927,26928,26929,2
6930,26931,26932	38053
214920_at	26933,26934,26935,26936,26937,26938,26939,26940,269
41,26942,26943	38054
214930_at	26944,26945,26946,26947,26948,26949,26950,26951,269
52,26953,26954	38055
214937_x_at	26955,26956,26957,26958,26959,26960,26961,26962,2
6963,26964,26965	38056
214946_x_at	26966,26967,26968,26969,26970,26971,26972,26973,2
6974,26975,26976	38057,38058,38059
214992_s_at	26977,26978,26979,26980,26981,26982,26983,26984,2
6985,26986,26987	38060
215000_s_at	26988,26989,26990,26991,26992,26993,26994,26995,2
6996,26997,26998	38061
215016_x_at	26999,27000,27001,27002,27003,27004,27005,27006,2
7007,27008,27009	38062
215023_s_at	27010,27011,27012,27013,27014,27015,27016,27017,2
7018,27019,27020	38063
215051_x_at	27021,27022,27023,27024,27025,27026,27027,27028,2
7029,27030,27031	38064
215071_s_at	27032,27033,27034,27035,27036,27037,27038,27039,2
7040,27041,27042	38065
215090_x_at	27043,27044,27045,27046,27047,27048,27049,27050,2
7051,27052,27053	38066
215091_s_at	27054,27055,27056,27057,27058,27059,27060,27061,2
7062,27063,27064	38067
215108_x_at	27065,27066,27067,27068,27069,27070,27071,27072,2
7073,27074,27075	38068
215111_s_at	27076,27077,27078,27079,27080,27081,27082,27083,2
7084,27085,27086	38069

215159_s_at	27087,27088,27089,27090,27091,27092,27093,27094,2
7095,27096,27097	38070
215193_x_at	27098,27099,27100,27101,27102,27103,27104,27105,2
7106,27107,27108	38071
215195_at	27109,27110,27111,27112,27113,27114,27115,27116,271
17,27118,27119	38072
215222_x_at	27120,27121,27122,27123,27124,27125,27126,27127,2
7128,27129,27130	38073
215227_x_at	27131,27132,27133,27134,27135,27136,27137,27138,2
7139,27140,27141	38074
215236_s_at	27142,27143,27144,27145,27146,27147,27148,27149,2
7150,27151,27152	38075
215253_s_at	27153,27154,27155,27156,27157,27158,27159,27160,2
7161,27162,27163	38076
215293_s_at	27164,27165,27166,27167,27168,27169,27170,27171,2
7172,27173,27174	38077
215300_s_at	27175,27176,27177,27178,27179,27180,27181,27182,2
7183,27184,27185	38078
215306_at	27186,27187,27188,27189,27190,27191,27192,27193,271
94,27195,27196	38079
215329_s_at	27197,27198,27199,27200,27201,27202,27203,27204,2
7205,27206,27207	38080,38081
215333_x_at	27208,27209,27210,27211,27212,27213,27214,27215,2
7216,27217,27218	38082
215380_s_at	27219,27220,27221,27222,27223,27224,27225,27226,2
7227,27228,27229	38083
215411_s_at	27230,27231,27232,27233,27234,27235,27236,27237,2
7238,27239,27240	38084
215438_x_at	27241,27242,27243,27244,27245,27246,27247,27248,2
7249,27250,27251	38085
215464_s_at	27252,27253,27254,27255,27256,27257,27258,27259,2
7260,27261,27262	38086
215471_s_at	27263,27264,27265,27266,27267,27268,27269,27270,2
7271,27272,27273	38087
215482_s_at	27274,27275,27276,27277,27278,27279,27280,27281,2
7282,27283,27284	38088
215485_s_at	27285,27286,27287,27288,27289,27290,27291,27292,2
7293,27294,27295	38089
215489_x_at	27296,27297,27298,27299,27300,27301,27302,27303,2
7304,27305,27306	38090
215493_x_at	27307,27308,27309,27310,27311,27312,27313,27314,2
7315,27316,27317	38091
215537_x_at	27318,27319,27320,27321,27322,27323,27324,27325,2
7326,27327,27328	38092
215543_s_at	27329,27330,27331,27332,27333,27334,27335,27336,2
7337,27338,27339	38093
215606_s_at	27340,27341,27342,27343,27344,27345,27346,27347,2
7348,27349,27350	38094
215631_s_at	27351,27352,27353,27354,27355,27356,27357,27358,2
7359,27360,27361	38095

215660_s_at	27362,27363,27364,27365,27366,27367,27368,27369,2
7370,27371,27372	38096
215690_x_at	27373,27374,27375,27376,27377,27378,27379,27380,2
7381,27382,27383	38097
215706_x_at	27384,27385,27386,27387,27388,27389,27390,27391,2
7392,27393,27394	38098
215707_s_at	27395,27396,27397,27398,27399,27400,27401,27402,2
7403,27404,27405	38099
215711_s_at	27406,27407,27408,27409,27410,27411,27412,27413,2
7414,27415,27416	38100
215726_s_at	27417,27418,27419,27420,27421,27422,27423,27424,2
7425,27426,27427	38101
215779_s_at	27428,27429,27430,27431,27432,27433,27434,27435,2
7436,27437,27438	38102
215794_x_at	27439,27440,27441,27442,27443,27444,27445,27446,2
7447,27448,27449	38103
215806_x_at	27450,27451,27452,27453,27454,27455,27456,27457,2
7458,27459,27460	38104
215812_s_at	27461,27462,27463,27464,27465,27466,27467,27468,2
7469,27470,27471	38105,38106
215813_s_at	27472,27473,27474,27475,27476,27477,27478,27479,2
7480,27481,27482	38107
215826_x_at	27483,27484,27485,27486,27487,27488,27489,27490,2
7491,27492,27493	38108
215947_s_at	27494,27495,27496,27497,27498,27499,27500,27501,2
7502,27503,27504	38109
215982_s_at	27505,27506,27507,27508,27509,27510,27511,27512,2
7513,27514,27515	38110
215990_s_at	27516,27517,27518,27519,27520,27521,27522,27523,2
7524,27525,27526	38111
216033_s_at	27527,27528,27529,27530,27531,27532,27533,27534,2
7535,27536,27537	38112
216074_x_at	27538,27539,27540,27541,27542,27543,27544,27545,2
7546,27547,27548	38113
216080_s_at	27549,27550,27551,27552,27553,27554,27555,27556,2
7557,27558,27559	38114
216088_s_at	27560,27561,27562,27563,27564,27565,27566,27567,2
7568,27569,27570	38115
216100_s_at	27571,27572,27573,27574,27575,27576,27577,27578,2
7579,27580,27581	38116
216111_x_at	27582,27583,27584,27585,27586,27587,27588,27589,2
7590,27591,27592	38117
216205_s_at	27593,27594,27595,27596,27597,27598,27599,27600,2
7601,27602,27603	38118
216215_s_at	27604,27605,27606,27607,27608,27609,27610,27611,2
7612,27613,27614	38119
216230_x_at	27615,27616,27617,27618,27619,27620,27621,27622,2
7623,27624,27625	38120
216231_s_at	27626,27627,27628,27629,27630,27631,27632,27633,2
7634,27635,27636	38121

216235_s_at	27637,27638,27639,27640,27641,27642,27643,27644,2
7645,27646,27647	38122
216236_s_at	27648,27649,27650,27651,27652,27653,27654,27655,2
7656,27657,27658	38123
216251_s_at	27659,27660,27661,27662,27663,27664,27665,27666,2
7667,27668,27669	38124
216272_x_at	27670,27671,27672,27673,27674,27675,27676,27677,2
7678,27679,27680	38125
216274_s_at	27681,27682,27683,27684,27685,27686,27687,27688,2
7689,27690,27691	38126
216295_s_at	27692,27693,27694,27695,27696,27697,27698,27699,2
7700,27701,27702	38127
216305_s_at	27703,27704,27705,27706,27707,27708,27709,27710,2
7711,27712,27713	38128
216308_x_at	27714,27715,27716,27717,27718,27719,27720,27721,2
7722,27723,27724	38129
216331_at	27725,27726,27727,27728,27729,27730,27731,27732,277
33,27734,27735	38130
216338_s_at	27736,27737,27738,27739,27740,27741,27742,27743,2
7744,27745,27746	38131
216360_x_at	27747,27748,27749,27750,27751,27752,27753,27754,2
7755,27756,27757	38132
216389_s_at	27758,27759,27760,27761,27762,27763,27764,27765,2
7766,27767,27768	38133
216392_s_at	27769,27770,27771,27772,27773,27774,27775,27776,2
7777,27778,27779	38134
216397_s_at	27780,27781,27782,27783,27784,27785,27786,27787,2
7788,27789,27790	38135
216438_s_at	27791,27792,27793,27794,27795,27796,27797,27798,2
7799,27800,27801	38136
216442_x_at	27802,27803,27804,27805,27806,27807,27808,27809,2
7810,27811,27812	38137
216474_x_at	27813,27814,27815,27816,27817,27818,27819,27820,2
7821,27822,27823	38138,38139
216483_s_at	27824,27825,27826,27827,27828,27829,27830,27831,2
7832,27833,27834	38140
216525_x_at	27835,27836,27837,27838,27839,27840,27841,27842,2
7843,27844,27845	38141
216532_x_at	27846,27847,27848,27849,27850,27851,27852,27853,2
7854,27855,27856	38142
216591_s_at	27857,27858,27859,27860,27861,27862,27863,27864,2
7865,27866,27867	38143
216594_x_at	27868,27869,27870,27871,27872,27873,27874,27875,2
7876,27877,27878	38144
216602_s_at	27879,27880,27881,27882,27883,27884,27885,27886,2
7887,27888,27889	38145
216641_s_at	27890,27891,27892,27893,27894,27895,27896,27897,2
7898,27899,27900	38146
216680_s_at	27901,27902,27903,27904,27905,27906,27907,27908,2
7909,27910,27911	38147

216689_x_at	27912,27913,27914,27915,27916,27917,27918,27919,2
7920,27921,27922	38148
216693_x_at	27923,27924,27925,27926,27927,27928,27929,27930,2
7931,27932,27933	38149
216733_s_at	27934,27935,27936,27937,27938,27939,27940,27941,2
7942,27943,27944	38150
216804_s_at	27945,27946,27947,27948,27949,27950,27951,27952,2
7953,27954,27955	38151
216840_s_at	27956,27957,27958,27959,27960,27961,27962,27963,2
7964,27965,27966	38152
216843_x_at	27967,27968,27969,27970,27971,27972,27973,27974,2
7975,27976,27977	38153,38154
216862_s_at	27978,27979,27980,27981,27982,27983,27984,27985,2
7986,27987,27988	38155
216866_s_at	27989,27990,27991,27992,27993,27994,27995,27996,2
7997,27998,27999	38156
216887_s_at	28000,28001,28002,28003,28004,28005,28006,28007,2
8008,28009,28010	38157
216899_s_at	28011,28012,28013,28014,28015,28016,28017,28018,2
8019,28020,28021	38158
216905_s_at	28022,28023,28024,28025,28026,28027,28028,28029,2
8030,28031,28032	38159
216920_s_at	28033,28034,28035,28036,28037,28038,28039,28040,2
8041,28042,28043	38160
216944_s_at	28044,28045,28046,28047,28048,28049,28050,28051,2
8052,28053,28054	38161
216958_s_at	28055,28056,28057,28058,28059,28060,28061,28062,2
8063,28064,28065	38162
216976_s_at	28066,28067,28068,28069,28070,28071,28072,28073,2
8074,28075,28076	38163
217007_s_at	28077,28078,28079,28080,28081,28082,28083,28084,2
8085,28086,28087	38164
217014_s_at	28088,28089,28090,28091,28092,28093,28094,28095,2
8096,28097,28098	38165
217023_x_at	28099,28100,28101,28102,28103,28104,28105,28106,2
8107,28108,28109	38166
217025_s_at	28110,28111,28112,28113,28114,28115,28116,28117,2
8118,28119,28120	38167
217066_s_at	28121,28122,28123,28124,28125,28126,28127,28128,2
8129,28130,28131	38168
217080_s_at	28132,28133,28134,28135,28136,28137,28138,28139,2
8140,28141,28142	38169
217234_s_at	28143,28144,28145,28146,28147,28148,28149,28150,2
8151,28152,28153	38170
217289_s_at	28154,28155,28156,28157,28158,28159,28160,28161,2
8162,28163,28164	38171
217294_s_at	28165,28166,28167,28168,28169,28170,28171,28172,2
8173,28174,28175	38172
217301_x_at	28176,28177,28178,28179,28180,28181,28182,28183,2
8184,28185,28186	38173

217356_s_at	28187,28188,28189,28190,28191,28192,28193,28194,2
8195,28196,28197	38174
217398_x_at	28198,28199,28200,28201,28202,28203,28204,28205,2
8206,28207,28208	38175
217432_s_at	28209,28210,28211,28212,28213,28214,28215,28216,2
8217,28218,28219	38176
217437_s_at	28220,28221,28222,28223,28224,28225,28226,28227,2
8228,28229,28230	38177
217457_s_at	28231,28232,28233,28234,28235,28236,28237,28238,2
8239,28240,28241	38178
217487_x_at	28242,28243,28244,28245,28246,28247,28248,28249,2
8250,28251,28252	38179
217499_x_at	28253,28254,28255,28256,28257,28258,28259,28260,2
8261,28262,28263	38180
217525_at	28264,28265,28266,28267,28268,28269,28270,28271,282
72,28273,28274	38181
217580_x_at	28275,28276,28277,28278,28279,28280,28281,28282,2
8283,28284,28285	38182
217691_x_at	28286,28287,28288,28289,28290,28291,28292,28293,2
8294,28295,28296	38183
217716_s_at	28297,28298,28299,28300,28301,28302,28303,28304,2
8305,28306,28307	38184
217720_at	28308,28309,28310,28311,28312,28313,28314,28315,283
16,28317,28318	38185
217724_at	28319,28320,28321,28322,28323,28324,28325,28326,283
27,28328,28329	38186
217725_x_at	28330,28331,28332,28333,28334,28335,28336,28337,2
8338,28339,28340	38187
217728_at	28341,28342,28343,28344,28345,28346,28347,28348,283
49,28350,28351	38188
217736_s_at	28352,28353,28354,28355,28356,28357,28358,28359,2
8360,28361,28362	38189
217740_x_at	28363,28364,28365,28366,28367,28368,28369,28370,2
8371,28372,28373	38190
217741_s_at	28374,28375,28376,28377,28378,28379,28380,28381,2
8382,28383,28384	38191
217744_s_at	28385,28386,28387,28388,28389,28390,28391,28392,2
8393,28394,28395	38192
217746_s_at	28396,28397,28398,28399,28400,28401,28402,28403,2
8404,28405,28406	38193
217748_at	28407,28408,28409,28410,28411,28412,28413,28414,284
15,28416,28417	38194
217752_s_at	28418,28419,28420,28421,28422,28423,28424,28425,2
8426,28427,28428	38195
217754_at	28429,28430,28431,28432,28433,28434,28435,28436,284
37,28438,28439	38196
217755_at	28440,28441,28442,28443,28444,28445,28446,28447,284
48,28449,28450	38197
217757_at	28451,28452,28453,28454,28455,28456,28457,28458,284
59,28460,28461	38198

217761_at	28462, 28463, 28464, 28465, 28466, 28467, 28468, 28469, 284
70, 28471, 28472	38199
217762_s_at	28473, 28474, 28475, 28476, 28477, 28478, 28479, 28480, 2
8481, 28482, 28483	38200
217763_s_at	28484, 28485, 28486, 28487, 28488, 28489, 28490, 28491, 2
8492, 28493, 28494	38201
217764_s_at	28495, 28496, 28497, 28498, 28499, 28500, 28501, 28502, 2
8503, 28504, 28505	38202
217765_at	28506, 28507, 28508, 28509, 28510, 28511, 28512, 28513, 285
14, 28515, 28516	38203
217766_s_at	28517, 28518, 28519, 28520, 28521, 28522, 28523, 28524, 2
8525, 28526, 28527	38204
217770_at	28528, 28529, 28530, 28531, 28532, 28533, 28534, 28535, 285
36, 28537, 28538	38205
217771_at	28539, 28540, 28541, 28542, 28543, 28544, 28545, 28546, 285
47, 28548, 28549	38206
217772_s_at	28550, 28551, 28552, 28553, 28554, 28555, 28556, 28557, 2
8558, 28559, 28560	38207
217777_s_at	28561, 28562, 28563, 28564, 28565, 28566, 28567, 28568, 2
8569, 28570, 28571	38208
217782_s_at	28572, 28573, 28574, 28575, 28576, 28577, 28578, 28579, 2
8580, 28581, 28582	38209
217784_at	28583, 28584, 28585, 28586, 28587, 28588, 28589, 28590, 285
91, 28592, 28593	38210
217785_s_at	28594, 28595, 28596, 28597, 28598, 28599, 28600, 28601, 2
8602, 28603, 28604	38211
217786_at	28605, 28606, 28607, 28608, 28609, 28610, 28611, 28612, 286
13, 28614, 28615	38212
217791_s_at	28616, 28617, 28618, 28619, 28620, 28621, 28622, 28623, 2
8624, 28625, 28626	38213
217792_at	28627, 28628, 28629, 28630, 28631, 28632, 28633, 28634, 286
35, 28636, 28637	38214
217795_s_at	28638, 28639, 28640, 28641, 28642, 28643, 28644, 28645, 2
8646, 28647, 28648	38215
217799_x_at	28649, 28650, 28651, 28652, 28653, 28654, 28655, 28656, 2
8657, 28658, 28659	38216
217800_s_at	28660, 28661, 28662, 28663, 28664, 28665, 28666, 28667, 2
8668, 28669, 28670	38217
217803_at	28671, 28672, 28673, 28674, 28675, 28676, 28677, 28678, 286
79, 28680, 28681	38218
217808_s_at	28682, 28683, 28684, 28685, 28686, 28687, 28688, 28689, 2
8690, 28691, 28692	38219
217809_at	28693, 28694, 28695, 28696, 28697, 28698, 28699, 28700, 287
01, 28702, 28703	38220
217811_at	28704, 28705, 28706, 28707, 28708, 28709, 28710, 28711, 287
12, 28713, 28714	38221
217812_at	28715, 28716, 28717, 28718, 28719, 28720, 28721, 28722, 287
23, 28724, 28725	38222
217820_s_at	28726, 28727, 28728, 28729, 28730, 28731, 28732, 28733, 2
8734, 28735, 28736	38223

217824_at	28737, 28738, 28739, 28740, 28741, 28742, 28743, 28744, 28745, 28746, 28747
217826_s_at	28748, 28749, 28750, 28751, 28752, 28753, 28754, 28755, 28756, 28757, 28758
217827_s_at	28759, 28760, 28761, 28762, 28763, 28764, 28765, 28766, 28767, 28768, 28769
217830_s_at	28770, 28771, 28772, 28773, 28774, 28775, 28776, 28777, 28778, 28779, 28780
217835_x_at	28781, 28782, 28783, 28784, 28785, 28786, 28787, 28788, 28789, 28790, 28791
217850_at	28792, 28793, 28794, 28795, 28796, 28797, 28798, 28799, 28800, 28801, 28802
217859_s_at	28803, 28804, 28805, 28806, 28807, 28808, 28809, 28810, 28811, 28812, 28813
217861_s_at	28814, 28815, 28816, 28817, 28818, 28819, 28820, 28821, 28822, 28823, 28824
217865_at	28825, 28826, 28827, 28828, 28829, 28830, 28831, 28832, 28833, 28834, 28835
217868_s_at	28836, 28837, 28838, 28839, 28840, 28841, 28842, 28843, 28844, 28845, 28846
217870_s_at	28847, 28848, 28849, 28850, 28851, 28852, 28853, 28854, 28855, 28856, 28857
217871_s_at	28858, 28859, 28860, 28861, 28862, 28863, 28864, 28865, 28866, 28867, 28868
217875_s_at	28869, 28870, 28871, 28872, 28873, 28874, 28875, 28876, 28877, 28878, 28879
217890_s_at	28880, 28881, 28882, 28883, 28884, 28885, 28886, 28887, 28888, 28889, 28890
217892_s_at	28891, 28892, 28893, 28894, 28895, 28896, 28897, 28898, 28899, 28900, 28901
217896_s_at	28902, 28903, 28904, 28905, 28906, 28907, 28908, 28909, 28910, 28911, 28912
217897_at	28913, 28914, 28915, 28916, 28917, 28918, 28919, 28920, 28921, 28922, 28923
217898_at	28924, 28925, 28926, 28927, 28928, 28929, 28930, 28931, 28932, 28933, 28934
217908_s_at	28935, 28936, 28937, 28938, 28939, 28940, 28941, 28942, 28943, 28944, 28945
217910_x_at	28946, 28947, 28948, 28949, 28950, 28951, 28952, 28953, 28954, 28955, 28956
217912_at	28957, 28958, 28959, 28960, 28961, 28962, 28963, 28964, 28965, 28966, 28967
217919_s_at	28968, 28969, 28970, 28971, 28972, 28973, 28974, 28975, 28976, 28977, 28978
217922_at	28979, 28980, 28981, 28982, 28983, 28984, 28985, 28986, 28987, 28988, 28989
217925_s_at	28990, 28991, 28992, 28993, 28994, 28995, 28996, 28997, 28998, 28999, 29000
217927_at	29001, 29002, 29003, 29004, 29005, 29006, 29007, 29008, 29009, 29010, 29011

217930_s_at	29012, 29013, 29014, 29015, 29016, 29017, 29018, 29019, 2
9020, 29021, 29022	38249
217940_s_at	29023, 29024, 29025, 29026, 29027, 29028, 29029, 29030, 2
9031, 29032, 29033	38250
217942_at	29034, 29035, 29036, 29037, 29038, 29039, 29040, 29041, 290
42, 29043, 29044	38251
217946_s_at	29045, 29046, 29047, 29048, 29049, 29050, 29051, 29052, 2
9053, 29054, 29055	38252
217949_s_at	29056, 29057, 29058, 29059, 29060, 29061, 29062, 29063, 2
9064, 29065, 29066	38253
217950_at	29067, 29068, 29069, 29070, 29071, 29072, 29073, 29074, 290
75, 29076, 29077	38254
217956_s_at	29078, 29079, 29080, 29081, 29082, 29083, 29084, 29085, 2
9086, 29087, 29088	38255
217965_s_at	29089, 29090, 29091, 29092, 29093, 29094, 29095, 29096, 2
9097, 29098, 29099	38256
217966_s_at	29100, 29101, 29102, 29103, 29104, 29105, 29106, 29107, 2
9108, 29109, 29110	38257
217967_s_at	29111, 29112, 29113, 29114, 29115, 29116, 29117, 29118, 2
9119, 29120, 29121	38258
217970_s_at	29122, 29123, 29124, 29125, 29126, 29127, 29128, 29129, 2
9130, 29131, 29132	38259
217973_at	29133, 29134, 29135, 29136, 29137, 29138, 29139, 29140, 291
41, 29142, 29143	38260
217976_s_at	29144, 29145, 29146, 29147, 29148, 29149, 29150, 29151, 2
9152, 29153, 29154	38261
217978_s_at	29155, 29156, 29157, 29158, 29159, 29160, 29161, 29162, 2
9163, 29164, 29165	38262
217979_at	29166, 29167, 29168, 29169, 29170, 29171, 29172, 29173, 291
74, 29175, 29176	38263
217981_s_at	29177, 29178, 29179, 29180, 29181, 29182, 29183, 29184, 2
9185, 29186, 29187	38264
217989_at	29188, 29189, 29190, 29191, 29192, 29193, 29194, 29195, 291
96, 29197, 29198	38265
217995_at	29199, 29200, 29201, 29202, 29203, 29204, 29205, 29206, 292
07, 29208, 29209	38266
218001_at	29210, 29211, 29212, 29213, 29214, 29215, 29216, 29217, 292
18, 29219, 29220	38267
218008_at	29221, 29222, 29223, 29224, 29225, 29226, 29227, 29228, 292
29, 29230, 29231	38268
218013_x_at	29232, 29233, 29234, 29235, 29236, 29237, 29238, 29239, 2
9240, 29241, 29242	38269
218016_s_at	29243, 29244, 29245, 29246, 29247, 29248, 29249, 29250, 2
9251, 29252, 29253	38270
218025_s_at	29254, 29255, 29256, 29257, 29258, 29259, 29260, 29261, 2
9262, 29263, 29264	38271
218027_at	29265, 29266, 29267, 29268, 29269, 29270, 29271, 29272, 292
73, 29274, 29275	38272
218029_at	29276, 29277, 29278, 29279, 29280, 29281, 29282, 29283, 292
84, 29285, 29286	38273

218032_at	29287, 29288, 29289, 29290, 29291, 29292, 29293, 29294, 292
95, 29296, 29297	38274
218033_s_at	29298, 29299, 29300, 29301, 29302, 29303, 29304, 29305, 2
9306, 29307, 29308	38275
218046_s_at	29309, 29310, 29311, 29312, 29313, 29314, 29315, 29316, 2
9317, 29318, 29319	38276
218047_at	29320, 29321, 29322, 29323, 29324, 29325, 29326, 29327, 293
28, 29329, 29330	38277
218051_s_at	29331, 29332, 29333, 29334, 29335, 29336, 29337, 29338, 2
9339, 29340, 29341	38278
218070_s_at	29342, 29343, 29344, 29345, 29346, 29347, 29348, 29349, 2
9350, 29351, 29352	38279
218071_s_at	29353, 29354, 29355, 29356, 29357, 29358, 29359, 29360, 2
9361, 29362, 29363	38280
218074_at	29364, 29365, 29366, 29367, 29368, 29369, 29370, 29371, 293
72, 29373, 29374	38281
218082_s_at	29375, 29376, 29377, 29378, 29379, 29380, 29381, 29382, 2
9383, 29384, 29385	38282
218083_at	29386, 29387, 29388, 29389, 29390, 29391, 29392, 29393, 293
94, 29395, 29396	38283
218086_at	29397, 29398, 29399, 29400, 29401, 29402, 29403, 29404, 294
05, 29406, 29407	38284
218087_s_at	29408, 29409, 29410, 29411, 29412, 29413, 29414, 29415, 2
9416, 29417, 29418	38285
218089_at	29419, 29420, 29421, 29422, 29423, 29424, 29425, 29426, 294
27, 29428, 29429	38286
218094_s_at	29430, 29431, 29432, 29433, 29434, 29435, 29436, 29437, 2
9438, 29439, 29440	38287
218095_s_at	29441, 29442, 29443, 29444, 29445, 29446, 29447, 29448, 2
9449, 29450, 29451	38288
218097_s_at	29452, 29453, 29454, 29455, 29456, 29457, 29458, 29459, 2
9460, 29461, 29462	38289
218101_s_at	29463, 29464, 29465, 29466, 29467, 29468, 29469, 29470, 2
9471, 29472, 29473	38290
218110_at	29474, 29475, 29476, 29477, 29478, 29479, 29480, 29481, 294
82, 29483, 29484	38291
218112_at	29485, 29486, 29487, 29488, 29489, 29490, 29491, 29492, 294
93, 29494, 29495	38292
218123_at	29496, 29497, 29498, 29499, 29500, 29501, 29502, 29503, 295
04, 29505, 29506	38293
218127_at	29507, 29508, 29509, 29510, 29511, 29512, 29513, 29514, 295
15, 29516, 29517	38294
218132_s_at	29518, 29519, 29520, 29521, 29522, 29523, 29524, 29525, 2
9526, 29527, 29528	38295
218140_x_at	29529, 29530, 29531, 29532, 29533, 29534, 29535, 29536, 2
9537, 29538, 29539	38296
218145_at	29540, 29541, 29542, 29543, 29544, 29545, 29546, 29547, 295
48, 29549, 29550	38297
218149_s_at	29551, 29552, 29553, 29554, 29555, 29556, 29557, 29558, 2
9559, 29560, 29561	38298

218150_at	29562, 29563, 29564, 29565, 29566, 29567, 29568, 29569, 295
70, 29571, 29572	38299
218151_x_at	29573, 29574, 29575, 29576, 29577, 29578, 29579, 29580, 2
9581, 29582, 29583	38300
218160_at	29584, 29585, 29586, 29587, 29588, 29589, 29590, 29591, 295
92, 29593, 29594	38301
218162_at	29595, 29596, 29597, 29598, 29599, 29600, 29601, 29602, 296
03, 29604, 29605	38302
218164_at	29606, 29607, 29608, 29609, 29610, 29611, 29612, 29613, 296
14, 29615, 29616	38303
218175_at	29617, 29618, 29619, 29620, 29621, 29622, 29623, 29624, 296
25, 29626, 29627	38304
218183_at	29628, 29629, 29630, 29631, 29632, 29633, 29634, 29635, 296
36, 29637, 29638	38305
218186_at	29639, 29640, 29641, 29642, 29643, 29644, 29645, 29646, 296
47, 29648, 29649	38306
218187_s_at	29650, 29651, 29652, 29653, 29654, 29655, 29656, 29657, 2
9658, 29659, 29660	38307
218188_s_at	29661, 29662, 29663, 29664, 29665, 29666, 29667, 29668, 2
9669, 29670, 29671	38308
218189_s_at	29672, 29673, 29674, 29675, 29676, 29677, 29678, 29679, 2
9680, 29681, 29682	38309
218192_at	29683, 29684, 29685, 29686, 29687, 29688, 29689, 29690, 296
91, 29692, 29693	38310
218194_at	29694, 29695, 29696, 29697, 29698, 29699, 29700, 29701, 297
02, 29703, 29704	38311
218196_at	29705, 29706, 29707, 29708, 29709, 29710, 29711, 29712, 297
13, 29714, 29715	38312
218198_at	29716, 29717, 29718, 29719, 29720, 29721, 29722, 29723, 297
24, 29725, 29726	38313
218203_at	29727, 29728, 29729, 29730, 29731, 29732, 29733, 29734, 297
35, 29736, 29737	38314
218204_s_at	29738, 29739, 29740, 29741, 29742, 29743, 29744, 29745, 2
9746, 29747, 29748	38315
218206_x_at	29749, 29750, 29751, 29752, 29753, 29754, 29755, 29756, 2
9757, 29758, 29759	38316
218209_s_at	29760, 29761, 29762, 29763, 29764, 29765, 29766, 29767, 2
9768, 29769, 29770	38317
218211_s_at	29771, 29772, 29773, 29774, 29775, 29776, 29777, 29778, 2
9779, 29780, 29781	38318
218215_s_at	29782, 29783, 29784, 29785, 29786, 29787, 29788, 29789, 2
9790, 29791, 29792	38319
218216_x_at	29793, 29794, 29795, 29796, 29797, 29798, 29799, 29800, 2
9801, 29802, 29803	38320
218217_at	29804, 29805, 29806, 29807, 29808, 29809, 29810, 29811, 298
12, 29813, 29814	38321
218218_at	29815, 29816, 29817, 29818, 29819, 29820, 29821, 29822, 298
23, 29824, 29825	38322
218219_s_at	29826, 29827, 29828, 29829, 29830, 29831, 29832, 29833, 2
9834, 29835, 29836	38323

218220_at	29837, 29838, 29839, 29840, 29841, 29842, 29843, 29844, 298
45, 29846, 29847	38324
218223_s_at	29848, 29849, 29850, 29851, 29852, 29853, 29854, 29855, 2
9856, 29857, 29858	38325
218224_at	29859, 29860, 29861, 29862, 29863, 29864, 29865, 29866, 298
67, 29868, 29869	38326
218226_s_at	29870, 29871, 29872, 29873, 29874, 29875, 29876, 29877, 2
9878, 29879, 29880	38327, 38328
218232_at	29881, 29882, 29883, 29884, 29885, 29886, 29887, 29888, 298
89, 29890, 29891	38329
218258_at	29892, 29893, 29894, 29895, 29896, 29897, 29898, 29899, 299
00, 29901, 29902	38330
218261_at	29903, 29904, 29905, 29906, 29907, 29908, 29909, 29910, 299
11, 29912, 29913	38331
218270_at	29914, 29915, 29916, 29917, 29918, 29919, 29920, 29921, 299
22, 29923, 29924	38332
218272_at	29925, 29926, 29927, 29928, 29929, 29930, 29931, 29932, 299
33, 29934, 29935	38333
218275_at	29936, 29937, 29938, 29939, 29940, 29941, 29942, 29943, 299
44, 29945, 29946	38334
218280_x_at	29947, 29948, 29949, 29950, 29951, 29952, 29953, 29954, 2
9955, 29956, 29957	38335, 38336
218283_at	29958, 29959, 29960, 29961, 29962, 29963, 29964, 29965, 299
66, 29967, 29968	38337
218285_s_at	29969, 29970, 29971, 29972, 29973, 29974, 29975, 29976, 2
9977, 29978, 29979	38338
218289_s_at	29980, 29981, 29982, 29983, 29984, 29985, 29986, 29987, 2
9988, 29989, 29990	38339
218292_s_at	29991, 29992, 29993, 29994, 29995, 29996, 29997, 29998, 2
9999, 30000, 30001	38340
218298_s_at	30002, 30003, 30004, 30005, 30006, 30007, 30008, 30009, 3
0010, 30011, 30012	38341
218299_at	30013, 30014, 30015, 30016, 30017, 30018, 30019, 30020, 300
21, 30022, 30023	38342
218302_at	30024, 30025, 30026, 30027, 30028, 30029, 30030, 30031, 300
32, 30033, 30034	38343
218312_s_at	30035, 30036, 30037, 30038, 30039, 30040, 30041, 30042, 3
0043, 30044, 30045	38344
218313_s_at	30046, 30047, 30048, 30049, 30050, 30051, 30052, 30053, 3
0054, 30055, 30056	38345
218320_s_at	30057, 30058, 30059, 30060, 30061, 30062, 30063, 30064, 3
0065, 30066, 30067	38346
218321_x_at	30068, 30069, 30070, 30071, 30072, 30073, 30074, 30075, 3
0076, 30077, 30078	38347
218327_s_at	30079, 30080, 30081, 30082, 30083, 30084, 30085, 30086, 3
0087, 30088, 30089	38348
218328_at	30090, 30091, 30092, 30093, 30094, 30095, 30096, 30097, 300
98, 30099, 30100	38349
218338_at	30101, 30102, 30103, 30104, 30105, 30106, 30107, 30108, 301
09, 30110, 30111	38350

218341_at	30112,30113,30114,30115,30116,30117,30118,30119,301
20,30121,30122	38351
218344_s_at	30123,30124,30125,30126,30127,30128,30129,30130,3
0131,30132,30133	38352
218345_at	30134,30135,30136,30137,30138,30139,30140,30141,301
42,30143,30144	38353
218346_s_at	30145,30146,30147,30148,30149,30150,30151,30152,3
0153,30154,30155	38354
218358_at	30156,30157,30158,30159,30160,30161,30162,30163,301
64,30165,30166	38355
218368_s_at	30167,30168,30169,30170,30171,30172,30173,30174,3
0175,30176,30177	38356
218373_at	30178,30179,30180,30181,30182,30183,30184,30185,301
86,30187,30188	38357
218375_at	30189,30190,30191,30192,30193,30194,30195,30196,301
97,30198,30199	38358
218380_at	30200,30201,30202,30203,30204,30205,30206,30207,302
08,30209,30210	38359
218387_s_at	30211,30212,30213,30214,30215,30216,30217,30218,3
0219,30220,30221	38360
218388_at	30222,30223,30224,30225,30226,30227,30228,30229,302
30,30231,30232	38361
218389_s_at	30233,30234,30235,30236,30237,30238,30239,30240,3
0241,30242,30243	38362
218418_s_at	30244,30245,30246,30247,30248,30249,30250,30251,3
0252,30253,30254	38363
218421_at	30255,30256,30257,30258,30259,30260,30261,30262,302
63,30264,30265	38364
218427_at	30266,30267,30268,30269,30270,30271,30272,30273,302
74,30275,30276	38365
218429_s_at	30277,30278,30279,30280,30281,30282,30283,30284,3
0285,30286,30287	38366
218434_s_at	30288,30289,30290,30291,30292,30293,30294,30295,3
0296,30297,30298	38367
218436_at	30299,30300,30301,30302,30303,30304,30305,30306,303
07,30308,30309	38368
218439_s_at	30310,30311,30312,30313,30314,30315,30316,30317,3
0318,30319,30320	38369
218447_at	30321,30322,30323,30324,30325,30326,30327,30328,303
29,30330,30331	38370
218448_at	30332,30333,30334,30335,30336,30337,30338,30339,303
40,30341,30342	38371
218454_at	30343,30344,30345,30346,30347,30348,30349,30350,303
51,30352,30353	38372
218455_at	30354,30355,30356,30357,30358,30359,30360,30361,303
62,30363,30364	38373
218458_at	30365,30366,30367,30368,30369,30370,30371,30372,303
73,30374,30375	38374
218460_at	30376,30377,30378,30379,30380,30381,30382,30383,303
84,30385,30386	38375,38376

218472_s_at	30387,30388,30389,30390,30391,30392,30393,30394,3
0395,30396,30397	38377
218473_s_at	30398,30399,30400,30401,30402,30403,30404,30405,3
0406,30407,30408	38378
218477_at	30409,30410,30411,30412,30413,30414,30415,30416,304
17,30418,30419	38379
218481_at	30420,30421,30422,30423,30424,30425,30426,30427,304
28,30429,30430	38380
218489_s_at	30431,30432,30433,30434,30435,30436,30437,30438,3
0439,30440,30441	38381
218494_s_at	30442,30443,30444,30445,30446,30447,30448,30449,3
0450,30451,30452	38382
218496_at	30453,30454,30455,30456,30457,30458,30459,30460,304
61,30462,30463	38383
218497_s_at	30464,30465,30466,30467,30468,30469,30470,30471,3
0472,30473,30474	38384
218499_at	30475,30476,30477,30478,30479,30480,30481,30482,304
83,30484,30485	38385
218500_at	30486,30487,30488,30489,30490,30491,30492,30493,304
94,30495,30496	38386
218509_at	30497,30498,30499,30500,30501,30502,30503,30504,305
05,30506,30507	38387
218516_s_at	30508,30509,30510,30511,30512,30513,30514,30515,3
0516,30517,30518	38388
218518_at	30519,30520,30521,30522,30523,30524,30525,30526,305
27,30528,30529	38389
218525_s_at	30530,30531,30532,30533,30534,30535,30536,30537,3
0538,30539,30540	38390
218529_at	30541,30542,30543,30544,30545,30546,30547,30548,305
49,30550,30551	38391
218531_at	30552,30553,30554,30555,30556,30557,30558,30559,305
60,30561,30562	38392
218533_s_at	30563,30564,30565,30566,30567,30568,30569,30570,3
0571,30572,30573	38393
218537_at	30574,30575,30576,30577,30578,30579,30580,30581,305
82,30583,30584	38394
218546_at	30585,30586,30587,30588,30589,30590,30591,30592,305
93,30594,30595	38395
218548_x_at	30596,30597,30598,30599,30600,30601,30602,30603,3
0604,30605,30606	38396
218552_at	30607,30608,30609,30610,30611,30612,30613,30614,306
15,30616,30617	38397
218555_at	30618,30619,30620,30621,30622,30623,30624,30625,306
26,30627,30628	38398
218557_at	30629,30630,30631,30632,30633,30634,30635,30636,306
37,30638,30639	38399
218573_at	30640,30641,30642,30643,30644,30645,30646,30647,306
48,30649,30650	38400
218574_s_at	30651,30652,30653,30654,30655,30656,30657,30658,3
0659,30660,30661	38401

218580_x_at	30662,30663,30664,30665,30666,30667,30668,30669,3
0670,30671,30672	38402,38403
218581_at	30673,30674,30675,30676,30677,30678,30679,30680,306
81,30682,30683	38404
218582_at	30684,30685,30686,30687,30688,30689,30690,30691,306
92,30693,30694	38405
218584_at	30695,30696,30697,30698,30699,30700,30701,30702,307
03,30704,30705	38406
218589_at	30706,30707,30708,30709,30710,30711,30712,30713,307
14,30715,30716	38407
218592_s_at	30717,30718,30719,30720,30721,30722,30723,30724,3
0725,30726,30727	38408
218599_at	30728,30729,30730,30731,30732,30733,30734,30735,307
36,30737,30738	38409
218605_at	30739,30740,30741,30742,30743,30744,30745,30746,307
47,30748,30749	38410
218617_at	30750,30751,30752,30753,30754,30755,30756,30757,307
58,30759,30760	38411
218634_at	30761,30762,30763,30764,30765,30766,30767,30768,307
69,30770,30771	38412
218636_s_at	30772,30773,30774,30775,30776,30777,30778,30779,3
0780,30781,30782	38413
218647_s_at	30783,30784,30785,30786,30787,30788,30789,30790,3
0791,30792,30793	38414
218648_at	30794,30795,30796,30797,30798,30799,30800,30801,308
02,30803,30804	38415
218651_s_at	30805,30806,30807,30808,30809,30810,30811,30812,3
0813,30814,30815	38416
218652_s_at	30816,30817,30818,30819,30820,30821,30822,30823,3
0824,30825,30826	38417
218653_at	30827,30828,30829,30830,30831,30832,30833,30834,308
35,30836,30837	38418
218654_s_at	30838,30839,30840,30841,30842,30843,30844,30845,3
0846,30847,30848	38419
218661_at	30849,30850,30851,30852,30853,30854,30855,30856,308
57,30858,30859	38420
218667_at	30860,30861,30862,30863,30864,30865,30866,30867,308
68,30869,30870	38421
218671_s_at	30871,30872,30873,30874,30875,30876,30877,30878,3
0879,30880,30881	38422
218672_at	30882,30883,30884,30885,30886,30887,30888,30889,308
90,30891,30892	38423
218676_s_at	30893,30894,30895,30896,30897,30898,30899,30900,3
0901,30902,30903	38424
218678_at	30904,30905,30906,30907,30908,30909,30910,30911,309
12,30913,30914	38425
218681_s_at	30915,30916,30917,30918,30919,30920,30921,30922,3
0923,30924,30925	38426
218684_at	30926,30927,30928,30929,30930,30931,30932,30933,309
34,30935,30936	38427

218685_s_at	30937,30938,30939,30940,30941,30942,30943,30944,3
0945,30946,30947	38428
218695_at	30948,30949,30950,30951,30952,30953,30954,30955,309
56,30957,30958	38429
218698_at	30959,30960,30961,30962,30963,30964,30965,30966,309
67,30968,30969	38430
218709_s_at	30970,30971,30972,30973,30974,30975,30976,30977,3
0978,30979,30980	38431
218711_s_at	30981,30982,30983,30984,30985,30986,30987,30988,3
0989,30990,30991	38432
218718_at	30992,30993,30994,30995,30996,30997,30998,30999,310
00,31001,31002	38433
218720_x_at	31003,31004,31005,31006,31007,31008,31009,31010,3
1011,31012,31013	38434
218722_s_at	31014,31015,31016,31017,31018,31019,31020,31021,3
1022,31023,31024	38435
218729_at	31025,31026,31027,31028,31029,31030,31031,31032,310
33,31034,31035	38436
218730_s_at	31036,31037,31038,31039,31040,31041,31042,31043,3
1044,31045,31046	38437
218732_at	31047,31048,31049,31050,31051,31052,31053,31054,310
55,31056,31057	38438
218788_s_at	31058,31059,31060,31061,31062,31063,31064,31065,3
1066,31067,31068	38439
218789_s_at	31069,31070,31071,31072,31073,31074,31075,31076,3
1077,31078,31079	38440
218792_s_at	31080,31081,31082,31083,31084,31085,31086,31087,3
1088,31089,31090	38441
218795_at	31091,31092,31093,31094,31095,31096,31097,31098,310
99,31100,31101	38442
218815_s_at	31102,31103,31104,31105,31106,31107,31108,31109,3
1110,31111,31112	38443
218820_at	31113,31114,31115,31116,31117,31118,31119,31120,311
21,31122,31123	38444
218822_s_at	31124,31125,31126,31127,31128,31129,31130,31131,3
1132,31133,31134	38445
218824_at	31135,31136,31137,31138,31139,31140,31141,31142,311
43,31144,31145	38446
218831_s_at	31146,31147,31148,31149,31150,31151,31152,31153,3
1154,31155,31156	38447
218834_s_at	31157,31158,31159,31160,31161,31162,31163,31164,3
1165,31166,31167	38448
218849_s_at	31168,31169,31170,31171,31172,31173,31174,31175,3
1176,31177,31178	38449
218855_at	31179,31180,31181,31182,31183,31184,31185,31186,311
87,31188,31189	38450
218864_at	31190,31191,31192,31193,31194,31195,31196,31197,311
98,31199,31200	38451
218865_at	31201,31202,31203,31204,31205,31206,31207,31208,312
09,31210,31211	38452

218870_at	31212,31213,31214,31215,31216,31217,31218,31219,312
20,31221,31222	38453
218872_at	31223,31224,31225,31226,31227,31228,31229,31230,312
31,31232,31233	38454
218876_at	31234,31235,31236,31237,31238,31239,31240,31241,312
42,31243,31244	38455
218882_s_at	31245,31246,31247,31248,31249,31250,31251,31252,3
1253,31254,31255	38456
218886_at	31256,31257,31258,31259,31260,31261,31262,31263,312
64,31265,31266	38457
218888_s_at	31267,31268,31269,31270,31271,31272,31273,31274,3
1275,31276,31277	38458
218892_at	31278,31279,31280,31281,31282,31283,31284,31285,312
86,31287,31288	38459
218893_at	31289,31290,31291,31292,31293,31294,31295,31296,312
97,31298,31299	38460
218897_at	31300,31301,31302,31303,31304,31305,31306,31307,313
08,31309,31310	38461
218898_at	31311,31312,31313,31314,31315,31316,31317,31318,313
19,31320,31321	38462
218921_at	31322,31323,31324,31325,31326,31327,31328,31329,313
30,31331,31332	38463
218922_s_at	31333,31334,31335,31336,31337,31338,31339,31340,3
1341,31342,31343	38464
218924_s_at	31344,31345,31346,31347,31348,31349,31350,31351,3
1352,31353,31354	38465
218931_at	31355,31356,31357,31358,31359,31360,31361,31362,313
63,31364,31365	38466
218934_s_at	31366,31367,31368,31369,31370,31371,31372,31373,3
1374,31375,31376	38467
218935_at	31377,31378,31379,31380,31381,31382,31383,31384,313
85,31386,31387	38468
218944_at	31388,31389,31390,31391,31392,31393,31394,31395,313
96,31397,31398	38469
218961_s_at	31399,31400,31401,31402,31403,31404,31405,31406,3
1407,31408,31409	38470
218962_s_at	31410,31411,31412,31413,31414,31415,31416,31417,3
1418,31419,31420	38471
218966_at	31421,31422,31423,31424,31425,31426,31427,31428,314
29,31430,31431	38472
218979_at	31432,31433,31434,31435,31436,31437,31438,31439,314
40,31441,31442	38473
218980_at	31443,31444,31445,31446,31447,31448,31449,31450,314
51,31452,31453	38474
218982_s_at	31454,31455,31456,31457,31458,31459,31460,31461,3
1462,31463,31464	38475
218996_at	31465,31466,31467,31468,31469,31470,31471,31472,314
73,31474,31475	38476
218997_at	31476,31477,31478,31479,31480,31481,31482,31483,314
84,31485,31486	38477

219015_s_at	31487,31488,31489,31490,31491,31492,31493,31494,3
1495,31496,31497	38478
219025_at	31498,31499,31500,31501,31502,31503,31504,31505,315
06,31507,31508	38479
219035_s_at	31509,31510,31511,31512,31513,31514,31515,31516,3
1517,31518,31519	38480
219041_s_at	31520,31521,31522,31523,31524,31525,31526,31527,3
1528,31529,31530	38481
219051_x_at	31531,31532,31533,31534,31535,31536,31537,31538,3
1539,31540,31541	38482
219055_at	31542,31543,31544,31545,31546,31547,31548,31549,315
50,31551,31552	38483
219058_x_at	31553,31554,31555,31556,31557,31558,31559,31560,3
1561,31562,31563	38484
219061_s_at	31564,31565,31566,31567,31568,31569,31570,31571,3
1572,31573,31574	38485
219063_at	31575,31576,31577,31578,31579,31580,31581,31582,315
83,31584,31585	38486
219064_at	31586,31587,31588,31589,31590,31591,31592,31593,315
94,31595,31596	38487
219065_s_at	31597,31598,31599,31600,31601,31602,31603,31604,3
1605,31606,31607	38488
219070_s_at	31608,31609,31610,31611,31612,31613,31614,31615,3
1616,31617,31618	38489
219075_at	31619,31620,31621,31622,31623,31624,31625,31626,316
27,31628,31629	38490
219081_at	31630,31631,31632,31633,31634,31635,31636,31637,316
38,31639,31640	38491
219090_at	31641,31642,31643,31644,31645,31646,31647,31648,316
49,31650,31651	38492
219093_at	31652,31653,31654,31655,31656,31657,31658,31659,316
60,31661,31662	38493
219102_at	31663,31664,31665,31666,31667,31668,31669,31670,316
71,31672,31673	38494
219114_at	31674,31675,31676,31677,31678,31679,31680,31681,316
82,31683,31684	38495
219117_s_at	31685,31686,31687,31688,31689,31690,31691,31692,3
1693,31694,31695	38496
219118_at	31696,31697,31698,31699,31700,31701,31702,31703,317
04,31705,31706	38497
219119_at	31707,31708,31709,31710,31711,31712,31713,31714,317
15,31716,31717	38498
219121_s_at	31718,31719,31720,31721,31722,31723,31724,31725,3
1726,31727,31728	38499
219137_s_at	31729,31730,31731,31732,31733,31734,31735,31736,3
1737,31738,31739	38500
219140_s_at	31740,31741,31742,31743,31744,31745,31746,31747,3
1748,31749,31750	38501
219152_at	31751,31752,31753,31754,31755,31756,31757,31758,317
59,31760,31761	38502

219165_at	31762,31763,31764,31765,31766,31767,31768,31769,317
70,31771,31772	38503
219167_at	31773,31774,31775,31776,31777,31778,31779,31780,317
81,31782,31783	38504
219176_at	31784,31785,31786,31787,31788,31789,31790,31791,317
92,31793,31794	38505
219179_at	31795,31796,31797,31798,31799,31800,31801,31802,318
03,31804,31805	38506
219184_x_at	31806,31807,31808,31809,31810,31811,31812,31813,3
1814,31815,31816	38507
219188_s_at	31817,31818,31819,31820,31821,31822,31823,31824,3
1825,31826,31827	38508
219201_s_at	31828,31829,31830,31831,31832,31833,31834,31835,3
1836,31837,31838	38509
219203_at	31839,31840,31841,31842,31843,31844,31845,31846,318
47,31848,31849	38510
219215_s_at	31850,31851,31852,31853,31854,31855,31856,31857,3
1858,31859,31860	38511
219217_at	31861,31862,31863,31864,31865,31866,31867,31868,318
69,31870,31871	38512
219222_at	31872,31873,31874,31875,31876,31877,31878,31879,318
80,31881,31882	38513
219223_at	31883,31884,31885,31886,31887,31888,31889,31890,318
91,31892,31893	38514
219228_at	31894,31895,31896,31897,31898,31899,31900,31901,319
02,31903,31904	38515
219230_at	31905,31906,31907,31908,31909,31910,31911,31912,319
13,31914,31915	38516
219250_s_at	31916,31917,31918,31919,31920,31921,31922,31923,3
1924,31925,31926	38517
219282_s_at	31927,31928,31929,31930,31931,31932,31933,31934,3
1935,31936,31937	38518
219283_at	31938,31939,31940,31941,31942,31943,31944,31945,319
46,31947,31948	38519
219295_s_at	31949,31950,31951,31952,31953,31954,31955,31956,3
1957,31958,31959	38520
219312_s_at	31960,31961,31962,31963,31964,31965,31966,31967,3
1968,31969,31970	38521
219343_at	31971,31972,31973,31974,31975,31976,31977,31978,319
79,31980,31981	38522
219360_s_at	31982,31983,31984,31985,31986,31987,31988,31989,3
1990,31991,31992	38523
219366_at	31993,31994,31995,31996,31997,31998,31999,32000,320
01,32002,32003	38524
219367_s_at	32004,32005,32006,32007,32008,32009,32010,32011,3
2012,32013,32014	38525
219376_at	32015,32016,32017,32018,32019,32020,32021,32022,320
23,32024,32025	38526
219395_at	32026,32027,32028,32029,32030,32031,32032,32033,320
34,32035,32036	38527

219405_at	32037, 32038, 32039, 32040, 32041, 32042, 32043, 32044, 320
45, 32046, 32047	38528
219416_at	32048, 32049, 32050, 32051, 32052, 32053, 32054, 32055, 320
56, 32057, 32058	38529
219419_at	32059, 32060, 32061, 32062, 32063, 32064, 32065, 32066, 320
67, 32068, 32069	38530
219427_at	32070, 32071, 32072, 32073, 32074, 32075, 32076, 32077, 320
78, 32079, 32080	38531
219428_s_at	32081, 32082, 32083, 32084, 32085, 32086, 32087, 32088, 3
2089, 32090, 32091	38532
219438_at	32092, 32093, 32094, 32095, 32096, 32097, 32098, 32099, 321
00, 32101, 32102	38533
219440_at	32103, 32104, 32105, 32106, 32107, 32108, 32109, 32110, 321
11, 32112, 32113	38534
219446_at	32114, 32115, 32116, 32117, 32118, 32119, 32120, 32121, 321
22, 32123, 32124	38535
219478_at	32125, 32126, 32127, 32128, 32129, 32130, 32131, 32132, 321
33, 32134, 32135	38536
219506_at	32136, 32137, 32138, 32139, 32140, 32141, 32142, 32143, 321
44, 32145, 32146	38537
219511_s_at	32147, 32148, 32149, 32150, 32151, 32152, 32153, 32154, 3
2155, 32156, 32157	38538
219514_at	32158, 32159, 32160, 32161, 32162, 32163, 32164, 32165, 321
66, 32167, 32168	38539
219518_s_at	32169, 32170, 32171, 32172, 32173, 32174, 32175, 32176, 3
2177, 32178, 32179	38540
219521_at	32180, 32181, 32182, 32183, 32184, 32185, 32186, 32187, 321
88, 32189, 32190	38541
219555_s_at	32191, 32192, 32193, 32194, 32195, 32196, 32197, 32198, 3
2199, 32200, 32201	38542
219561_at	32202, 32203, 32204, 32205, 32206, 32207, 32208, 32209, 322
10, 32211, 32212	38543
219575_s_at	32213, 32214, 32215, 32216, 32217, 32218, 32219, 32220, 3
2221, 32222, 32223	38544
219578_s_at	32224, 32225, 32226, 32227, 32228, 32229, 32230, 32231, 3
2232, 32233, 32234	38545
219584_at	32235, 32236, 32237, 32238, 32239, 32240, 32241, 32242, 322
43, 32244, 32245	38546
219593_at	32246, 32247, 32248, 32249, 32250, 32251, 32252, 32253, 322
54, 32255, 32256	38547
219600_s_at	32257, 32258, 32259, 32260, 32261, 32262, 32263, 32264, 3
2265, 32266, 32267	38548
219620_x_at	32268, 32269, 32270, 32271, 32272, 32273, 32274, 32275, 3
2276, 32277, 32278	38549
219646_at	32279, 32280, 32281, 32282, 32283, 32284, 32285, 32286, 322
87, 32288, 32289	38550
219647_at	32290, 32291, 32292, 32293, 32294, 32295, 32296, 32297, 322
98, 32299, 32300	38551
219649_at	32301, 32302, 32303, 32304, 32305, 32306, 32307, 32308, 323
09, 32310, 32311	38552

219675_s_at	32312,32313,32314,32315,32316,32317,32318,32319,3
2320,32321,32322	38553
219679_s_at	32323,32324,32325,32326,32327,32328,32329,32330,3
2331,32332,32333	38554
219685_at	32334,32335,32336,32337,32338,32339,32340,32341,323
42,32343,32344	38555
219733_s_at	32345,32346,32347,32348,32349,32350,32351,32352,3
2353,32354,32355	38556
219736_at	32356,32357,32358,32359,32360,32361,32362,32363,323
64,32365,32366	38557
219747_at	32367,32368,32369,32370,32371,32372,32373,32374,323
75,32376,32377	38558
219762_s_at	32378,32379,32380,32381,32382,32383,32384,32385,3
2386,32387,32388	38559
219764_at	32389,32390,32391,32392,32393,32394,32395,32396,323
97,32398,32399	38560
219770_at	32400,32401,32402,32403,32404,32405,32406,32407,324
08,32409,32410	38561
219798_s_at	32411,32412,32413,32414,32415,32416,32417,32418,3
2419,32420,32421	38562
219806_s_at	32422,32423,32424,32425,32426,32427,32428,32429,3
2430,32431,32432	38563
219807_x_at	32433,32434,32435,32436,32437,32438,32439,32440,3
2441,32442,32443	38564
219809_at	32444,32445,32446,32447,32448,32449,32450,32451,324
52,32453,32454	38565
219812_at	32455,32456,32457,32458,32459,32460,32461,32462,324
63,32464,32465	38566
219815_at	32466,32467,32468,32469,32470,32471,32472,32473,324
74,32475,32476	38567
219829_at	32477,32478,32479,32480,32481,32482,32483,32484,324
85,32486,32487	38568
219856_at	32488,32489,32490,32491,32492,32493,32494,32495,324
96,32497,32498	38569
219860_at	32499,32500,32501,32502,32503,32504,32505,32506,325
07,32508,32509	38570
219862_s_at	32510,32511,32512,32513,32514,32515,32516,32517,3
2518,32519,32520	38571
219863_at	32521,32522,32523,32524,32525,32526,32527,32528,325
29,32530,32531	38572
219869_s_at	32532,32533,32534,32535,32536,32537,32538,32539,3
2540,32541,32542	38573
219873_at	32543,32544,32545,32546,32547,32548,32549,32550,325
51,32552,32553	38574
219874_at	32554,32555,32556,32557,32558,32559,32560,32561,325
62,32563,32564	38575
219877_at	32565,32566,32567,32568,32569,32570,32571,32572,325
73,32574,32575	38576
219902_at	32576,32577,32578,32579,32580,32581,32582,32583,325
84,32585,32586	38577

219913_s_at	32587, 32588, 32589, 32590, 32591, 32592, 32593, 32594, 3
2595, 32596, 32597	38578
219916_s_at	32598, 32599, 32600, 32601, 32602, 32603, 32604, 32605, 3
2606, 32607, 32608	38579
219920_s_at	32609, 32610, 32611, 32612, 32613, 32614, 32615, 32616, 3
2617, 32618, 32619	38580
219924_s_at	32620, 32621, 32622, 32623, 32624, 32625, 32626, 32627, 3
2628, 32629, 32630	38581
219929_s_at	32631, 32632, 32633, 32634, 32635, 32636, 32637, 32638, 3
2639, 32640, 32641	38582
219931_s_at	32642, 32643, 32644, 32645, 32646, 32647, 32648, 32649, 3
2650, 32651, 32652	38583
219935_at	32653, 32654, 32655, 32656, 32657, 32658, 32659, 32660, 326
61, 32662, 32663	38584
219939_s_at	32664, 32665, 32666, 32667, 32668, 32669, 32670, 32671, 3
2672, 32673, 32674	38585
219960_s_at	32675, 32676, 32677, 32678, 32679, 32680, 32681, 32682, 3
2683, 32684, 32685	38586
219993_at	32686, 32687, 32688, 32689, 32690, 32691, 32692, 32693, 326
94, 32695, 32696	38587
220094_s_at	32697, 32698, 32699, 32700, 32701, 32702, 32703, 32704, 3
2705, 32706, 32707	38588
220108_at	32708, 32709, 32710, 32711, 32712, 32713, 32714, 32715, 327
16, 32717, 32718	38589
220161_s_at	32719, 32720, 32721, 32722, 32723, 32724, 32725, 32726, 3
2727, 32728, 32729	38590
220187_at	32730, 32731, 32732, 32733, 32734, 32735, 32736, 32737, 327
38, 32739, 32740	38591
220189_s_at	32741, 32742, 32743, 32744, 32745, 32746, 32747, 32748, 3
2749, 32750, 32751	38592
220192_x_at	32752, 32753, 32754, 32755, 32756, 32757, 32758, 32759, 3
2760, 32761, 32762	38593
220233_at	32763, 32764, 32765, 32766, 32767, 32768, 32769, 32770, 327
71, 32772, 32773	38594
220261_s_at	32774, 32775, 32776, 32777, 32778, 32779, 32780, 32781, 3
2782, 32783, 32784	38595
220262_s_at	32785, 32786, 32787, 32788, 32789, 32790, 32791, 32792, 3
2793, 32794, 32795	38596
220272_at	32796, 32797, 32798, 32799, 32800, 32801, 32802, 32803, 328
04, 32805, 32806	38597
220326_s_at	32807, 32808, 32809, 32810, 32811, 32812, 32813, 32814, 3
2815, 32816, 32817	38598
220334_at	32818, 32819, 32820, 32821, 32822, 32823, 32824, 32825, 328
26, 32827, 32828	38599
220380_at	32829, 32830, 32831, 32832, 32833, 32834, 32835, 32836, 328
37, 32838, 32839	38600
220419_s_at	32840, 32841, 32842, 32843, 32844, 32845, 32846, 32847, 3
2848, 32849, 32850	38601
220420_at	32851, 32852, 32853, 32854, 32855, 32856, 32857, 32858, 328
59, 32860, 32861	38602

220477_s_at	32862,32863,32864,32865,32866,32867,32868,32869,3
2870,32871,32872	38603
220495_s_at	32873,32874,32875,32876,32877,32878,32879,32880,3
2881,32882,32883	38604
220526_s_at	32884,32885,32886,32887,32888,32889,32890,32891,3
2892,32893,32894	38605,38606
220532_s_at	32895,32896,32897,32898,32899,32900,32901,32902,3
2903,32904,32905	38607
220547_s_at	32906,32907,32908,32909,32910,32911,32912,32913,3
2914,32915,32916	38608
220584_at	32917,32918,32919,32920,32921,32922,32923,32924,329
25,32926,32927	38609
220587_s_at	32928,32929,32930,32931,32932,32933,32934,32935,3
2936,32937,32938	38610
220597_s_at	32939,32940,32941,32942,32943,32944,32945,32946,3
2947,32948,32949	38611
220607_x_at	32950,32951,32952,32953,32954,32955,32956,32957,3
2958,32959,32960	38612
220617_s_at	32961,32962,32963,32964,32965,32966,32967,32968,3
2969,32970,32971	38613
220633_s_at	32972,32973,32974,32975,32976,32977,32978,32979,3
2980,32981,32982	38614
220634_at	32983,32984,32985,32986,32987,32988,32989,32990,329
91,32992,32993	38615
220638_s_at	32994,32995,32996,32997,32998,32999,33000,33001,3
3002,33003,33004	38616
220647_s_at	33005,33006,33007,33008,33009,33010,33011,33012,3
3013,33014,33015	38617
220707_s_at	33016,33017,33018,33019,33020,33021,33022,33023,3
3024,33025,33026	38618
220721_at	33027,33028,33029,33030,33031,33032,33033,33034,330
35,33036,33037	38619
220723_s_at	33038,33039,33040,33041,33042,33043,33044,33045,3
3046,33047,33048	38620
220724_at	33049,33050,33051,33052,33053,33054,33055,33056,330
57,33058,33059	38621
220741_s_at	33060,33061,33062,33063,33064,33065,33066,33067,3
3068,33069,33070	38622
220751_s_at	33071,33072,33073,33074,33075,33076,33077,33078,3
3079,33080,33081	38623
220753_s_at	33082,33083,33084,33085,33086,33087,33088,33089,3
3090,33091,33092	38624
220757_s_at	33093,33094,33095,33096,33097,33098,33099,33100,3
3101,33102,33103	38625
220768_s_at	33104,33105,33106,33107,33108,33109,33110,33111,3
3112,33113,33114	38626
220773_s_at	33115,33116,33117,33118,33119,33120,33121,33122,3
3123,33124,33125	38627
220807_at	33126,33127,33128,33129,33130,33131,33132,33133,331

34,33135,33136	38628
220892_s_at	33137,33138,33139,33140,33141,33142,33143,33144,3
3145,33146,33147	38629
220911_s_at	33148,33149,33150,33151,33152,33153,33154,33155,3
3156,33157,33158	38630
220926_s_at	33159,33160,33161,33162,33163,33164,33165,33166,3
3167,33168,33169	38631
220933_s_at	33170,33171,33172,33173,33174,33175,33176,33177,3
3178,33179,33180	38632
220934_s_at	33181,33182,33183,33184,33185,33186,33187,33188,3
3189,33190,33191	38633
220945_x_at	33192,33193,33194,33195,33196,33197,33198,33199,3
3200,33201,33202	38634
220952_s_at	33203,33204,33205,33206,33207,33208,33209,33210,3
3211,33212,33213	38635
220955_x_at	33214,33215,33216,33217,33218,33219,33220,33221,3
3222,33223,33224	38636
220964_s_at	33225,33226,33227,33228,33229,33230,33231,33232,3
3233,33234,33235	38637
220966_x_at	33236,33237,33238,33239,33240,33241,33242,33243,3
3244,33245,33246	38638
220974_x_at	33247,33248,33249,33250,33251,33252,33253,33254,3
3255,33256,33257	38639
220980_s_at	33258,33259,33260,33261,33262,33263,33264,33265,3
3266,33267,33268	38640
221000_s_at	33269,33270,33271,33272,33273,33274,33275,33276,3
3277,33278,33279	38641
221016_s_at	33280,33281,33282,33283,33284,33285,33286,33287,3
3288,33289,33290	38642
221027_s_at	33291,33292,33293,33294,33295,33296,33297,33298,3
3299,33300,33301	38643
221041_s_at	33302,33303,33304,33305,33306,33307,33308,33309,3
3310,33311,33312	38644
221045_s_at	33313,33314,33315,33316,33317,33318,33319,33320,3
3321,33322,33323	38645
221081_s_at	33324,33325,33326,33327,33328,33329,33330,33331,3
3332,33333,33334	38646
221215_s_at	33335,33336,33337,33338,33339,33340,33341,33342,3
3343,33344,33345	38647
221217_s_at	33346,33347,33348,33349,33350,33351,33352,33353,3
3354,33355,33356	38648
221246_x_at	33357,33358,33359,33360,33361,33362,33363,33364,3
3365,33366,33367	38649
221247_s_at	33368,33369,33370,33371,33372,33373,33374,33375,3
3376,33377,33378	38650
221255_s_at	33379,33380,33381,33382,33383,33384,33385,33386,3
3387,33388,33389	38651
221276_s_at	33390,33391,33392,33393,33394,33395,33396,33397,3
3398,33399,33400	38652
221345_at	33401,33402,33403,33404,33405,33406,33407,33408,334

09,33410,33411	38653
221423_s_at	33412,33413,33414,33415,33416,33417,33418,33419,3
3420,33421,33422	38654
221424_s_at	33423,33424,33425,33426,33427,33428,33429,33430,3
3431,33432,33433	38655
221432_s_at	33434,33435,33436,33437,33438,33439,33440,33441,3
3442,33443,33444	38656
221434_s_at	33445,33446,33447,33448,33449,33450,33451,33452,3
3453,33454,33455	38657
221437_s_at	33456,33457,33458,33459,33460,33461,33462,33463,3
3464,33465,33466	38658
221447_s_at	33467,33468,33469,33470,33471,33472,33473,33474,3
3475,33476,33477	38659
221449_s_at	33478,33479,33480,33481,33482,33483,33484,33485,3
3486,33487,33488	38660
221450_x_at	33489,33490,33491,33492,33493,33494,33495,33496,3
3497,33498,33499	38661
221473_x_at	33500,33501,33502,33503,33504,33505,33506,33507,3
3508,33509,33510	38662
221475_s_at	33511,33512,33513,33514,33515,33516,33517,33518,3
3519,33520,33521	38663
221486_at	33522,33523,33524,33525,33526,33527,33528,33529,335
30,33531,33532	38664
221487_s_at	33533,33534,33535,33536,33537,33538,33539,33540,3
3541,33542,33543	38665
221502_at	33544,33545,33546,33547,33548,33549,33550,33551,335
52,33553,33554	38666
221504_s_at	33555,33556,33557,33558,33559,33560,33561,33562,3
3563,33564,33565	38667
221512_at	33566,33567,33568,33569,33570,33571,33572,33573,335
74,33575,33576	38668
221516_s_at	33577,33578,33579,33580,33581,33582,33583,33584,3
3585,33586,33587	38669
221523_s_at	33588,33589,33590,33591,33592,33593,33594,33595,3
3596,33597,33598	38670
221527_s_at	33599,33600,33601,33602,33603,33604,33605,33606,3
3607,33608,33609	38671
221532_s_at	33610,33611,33612,33613,33614,33615,33616,33617,3
3618,33619,33620	38672
221539_at	33621,33622,33623,33624,33625,33626,33627,33628,336
29,33630,33631	38673
221564_at	33632,33633,33634,33635,33636,33637,33638,33639,336
40,33641,33642	38674
221565_s_at	33643,33644,33645,33646,33647,33648,33649,33650,3
3651,33652,33653	38675
221566_s_at	33654,33655,33656,33657,33658,33659,33660,33661,3
3662,33663,33664	38676
221567_at	33665,33666,33667,33668,33669,33670,33671,33672,336
73,33674,33675	38677
221570_s_at	33676,33677,33678,33679,33680,33681,33682,33683,3

3684,33685,33686	38678
221573_at	33687,33688,33689,33690,33691,33692,33693,33694,336
95,33696,33697	38679
221582_at	33698,33699,33700,33701,33702,33703,33704,33705,337
06,33707,33708	38680
221584_s_at	33709,33710,33711,33712,33713,33714,33715,33716,3
3717,33718,33719	38681
221586_s_at	33720,33721,33722,33723,33724,33725,33726,33727,3
3728,33729,33730	38682
221587_s_at	33731,33732,33733,33734,33735,33736,33737,33738,3
3739,33740,33741	38683
221610_s_at	33742,33743,33744,33745,33746,33747,33748,33749,3
3750,33751,33752	38684
221620_s_at	33753,33754,33755,33756,33757,33758,33759,33760,3
3761,33762,33763	38685
221637_s_at	33764,33765,33766,33767,33768,33769,33770,33771,3
3772,33773,33774	38686
221641_s_at	33775,33776,33777,33778,33779,33780,33781,33782,3
3783,33784,33785	38687
221648_s_at	33786,33787,33788,33789,33790,33791,33792,33793,3
3794,33795,33796	38688
221656_s_at	33797,33798,33799,33800,33801,33802,33803,33804,3
3805,33806,33807	38689
221667_s_at	33808,33809,33810,33811,33812,33813,33814,33815,3
3816,33817,33818	38690
221676_s_at	33819,33820,33821,33822,33823,33824,33825,33826,3
3827,33828,33829	38691
221688_s_at	33830,33831,33832,33833,33834,33835,33836,33837,3
3838,33839,33840	38692
221691_x_at	33841,33842,33843,33844,33845,33846,33847,33848,3
3849,33850,33851	38693
221693_s_at	33852,33853,33854,33855,33856,33857,33858,33859,3
3860,33861,33862	38694
221695_s_at	33863,33864,33865,33866,33867,33868,33869,33870,3
3871,33872,33873	38695
221718_s_at	33874,33875,33876,33877,33878,33879,33880,33881,3
3882,33883,33884	38696
221729_at	33885,33886,33887,33888,33889,33890,33891,33892,338
93,33894,33895	38697
221730_at	33896,33897,33898,33899,33900,33901,33902,33903,339
04,33905,33906	38698
221732_at	33907,33908,33909,33910,33911,33912,33913,33914,339
15,33916,33917	38699
221737_at	33918,33919,33920,33921,33922,33923,33924,33925,339
26,33927,33928	38700
221741_s_at	33929,33930,33931,33932,33933,33934,33935,33936,3
3937,33938,33939	38701
221747_at	33940,33941,33942,33943,33944,33945,33946,33947,339
48,33949,33950	38702
221748_s_at	33951,33952,33953,33954,33955,33956,33957,33958,3

3959,33960,33961	38703
221753_at	33962,33963,33964,33965,33966,33967,33968,33969,339
70,33971,33972	38704
221755_at	33973,33974,33975,33976,33977,33978,33979,33980,339
81,33982,33983	38705
221760_at	33984,33985,33986,33987,33988,33989,33990,33991,339
92,33993,33994	38706
221766_s_at	33995,33996,33997,33998,33999,34000,34001,34002,3
4003,34004,34005	38707
221772_s_at	34006,34007,34008,34009,34010,34011,34012,34013,3
4014,34015,34016	38708
221781_s_at	34017,34018,34019,34020,34021,34022,34023,34024,3
4025,34026,34027	38709
221782_at	34028,34029,34030,34031,34032,34033,34034,34035,340
36,34037,34038	38710
221786_at	34039,34040,34041,34042,34043,34044,34045,34046,340
47,34048,34049	38711
221788_at	34050,34051,34052,34053,34054,34055,34056,34057,340
58,34059,34060	38712
221799_at	34061,34062,34063,34064,34065,34066,34067,34068,340
69,34070,34071	38713
221816_s_at	34072,34073,34074,34075,34076,34077,34078,34079,3
4080,34081,34082	38714
221827_at	34083,34084,34085,34086,34087,34088,34089,34090,340
91,34092,34093	38715
221846_s_at	34094,34095,34096,34097,34098,34099,34100,34101,3
4102,34103,34104	38716
221850_x_at	34105,34106,34107,34108,34109,34110,34111,34112,3
4113,34114,34115	38717,38718,38719
221865_at	34116,34117,34118,34119,34120,34121,34122,34123,341
24,34125,34126	38720
221870_at	34127,34128,34129,34130,34131,34132,34133,34134,341
35,34136,34137	38721
221872_at	34138,34139,34140,34141,34142,34143,34144,34145,341
46,34147,34148	38722
221880_s_at	34149,34150,34151,34152,34153,34154,34155,34156,3
4157,34158,34159	38723
221881_s_at	34160,34161,34162,34163,34164,34165,34166,34167,3
4168,34169,34170	38724
221882_s_at	34171,34172,34173,34174,34175,34176,34177,34178,3
4179,34180,34181	38725
221885_at	34182,34183,34184,34185,34186,34187,34188,34189,341
90,34191,34192	38726
221900_at	34193,34194,34195,34196,34197,34198,34199,34200,342
01,34202,34203	38727
221902_at	34204,34205,34206,34207,34208,34209,34210,34211,342
12,34213,34214	38728
221903_s_at	34215,34216,34217,34218,34219,34220,34221,34222,3
4223,34224,34225	38729
221907_at	34226,34227,34228,34229,34230,34231,34232,34233,342

34,34235,34236	38730
221922_at	34237,34238,34239,34240,34241,34242,34243,34244,342
45,34246,34247	38731
221923_s_at	34248,34249,34250,34251,34252,34253,34254,34255,3
4256,34257,34258	38732
221932_s_at	34259,34260,34261,34262,34263,34264,34265,34266,3
4267,34268,34269	38733
221935_s_at	34270,34271,34272,34273,34274,34275,34276,34277,3
4278,34279,34280	38734
221939_at	34281,34282,34283,34284,34285,34286,34287,34288,342
89,34290,34291	38735
221941_at	34292,34293,34294,34295,34296,34297,34298,34299,343
00,34301,34302	38736
221958_s_at	34303,34304,34305,34306,34307,34308,34309,34310,3
4311,34312,34313	38737
221959_at	34314,34315,34316,34317,34318,34319,34320,34321,343
22,34323,34324	38738
221962_s_at	34325,34326,34327,34328,34329,34330,34331,34332,3
4333,34334,34335	38739
221972_s_at	34336,34337,34338,34339,34340,34341,34342,34343,3
4344,34345,34346	38740
222025_s_at	34347,34348,34349,34350,34351,34352,34353,34354,3
4355,34356,34357	38741
222043_at	34358,34359,34360,34361,34362,34363,34364,34365,343
66,34367,34368	38742
222065_s_at	34369,34370,34371,34372,34373,34374,34375,34376,3
4377,34378,34379	38743
222067_x_at	34380,34381,34382,34383,34384,34385,34386,34387,3
4388,34389,34390	38744
222075_s_at	34391,34392,34393,34394,34395,34396,34397,34398,3
4399,34400,34401	38745
222088_s_at	34402,34403,34404,34405,34406,34407,34408,34409,3
4410,34411,34412	38746
222101_s_at	34413,34414,34415,34416,34417,34418,34419,34420,3
4421,34422,34423	38747
222108_at	34424,34425,34426,34427,34428,34429,34430,34431,344
32,34433,34434	38748
222121_at	34435,34436,34437,34438,34439,34440,34441,34442,344
43,34444,34445	38749
222125_s_at	34446,34447,34448,34449,34450,34451,34452,34453,3
4454,34455,34456	38750
222132_s_at	34457,34458,34459,34460,34461,34462,34463,34464,3
4465,34466,34467	38751
222138_s_at	34468,34469,34470,34471,34472,34473,34474,34475,3
4476,34477,34478	38752
222157_s_at	34479,34480,34481,34482,34483,34484,34485,34486,3
4487,34488,34489	38753
222158_s_at	34490,34491,34492,34493,34494,34495,34496,34497,3
4498,34499,34500	38754
222162_s_at	34501,34502,34503,34504,34505,34506,34507,34508,3

4509,34510,34511	38755
222191_s_at	34512,34513,34514,34515,34516,34517,34518,34519,3
4520,34521,34522	38756
222209_s_at	34523,34524,34525,34526,34527,34528,34529,34530,3
4531,34532,34533	38757
222212_s_at	34534,34535,34536,34537,34538,34539,34540,34541,3
4542,34543,34544	38758
222216_s_at	34545,34546,34547,34548,34549,34550,34551,34552,3
4553,34554,34555	38759
222220_s_at	34556,34557,34558,34559,34560,34561,34562,34563,3
4564,34565,34566	38760
222221_x_at	34567,34568,34569,34570,34571,34572,34573,34574,3
4575,34576,34577	38761
222234_s_at	34578,34579,34580,34581,34582,34583,34584,34585,3
4586,34587,34588	38762
222243_s_at	34589,34590,34591,34592,34593,34594,34595,34596,3
4597,34598,34599	38763
222256_s_at	34600,34601,34602,34603,34604,34605,34606,34607,3
4608,34609,34610	38764
222258_s_at	34611,34612,34613,34614,34615,34616,34617,34618,3
4619,34620,34621	38765
243_g_at	34622,34623,34624,34625,34626,34627,34628,34629,3463
0,34631,34632,34633,34634,34635,34636,34637	38766
32094_at	34638,34639,34640,34641,34642,34643,34644,34645,3464
6,34647,34648,34649,34650,34651,34652,34653	38767
32137_at	34654,34655,34656,34657,34658,34659,34660,34661,3466
2,34663,34664,34665,34666,34667,34668,34669	38768
32209_at	34670,34671,34672,34673,34674,34675,34676,34677,3467
8,34679,34680,34681,34682,34683,34684,34685	38769
32502_at	34686,34687,34688,34689,34690,34691,34692,34693,3469
4,34695,34696,34697,34698,34699,34700,34701	38770
32837_at	34702,34703,34704,34705,34706,34707,34708,34709,3471
0,34711,34712,34713,34714,34715,34716,34717	38771
33322_i_at	34718,34719,34720,34721,34722,34723,34724,34725,34
726,34727,34728,34729,34730,34731	38772
33323_r_at	34732,34733,34734,34735,34736,34737,34738,34739,34
740,34741,34742,34743,34744,34745,34746,34747	38773
336_at	34748,34749,34750,34751,34752,34753,34754,34755,34756,
34757,34758,34759,34760,34761,34762,34763	38774
33767_at	34764,34765,34766,34767,34768,34769,34770,34771,3477
2,34773,34774,34775,34776,34777,34778,34779	38775

33850_at 34780, 34781, 34782, 34783, 34784, 34785, 34786, 34787, 34788, 34789, 34790, 34791, 34792, 34793, 34794, 34795 38776

35201_at 34796, 34797, 34798, 34799, 34800, 34801, 34802, 34803, 34804, 34805, 34806, 34807, 34808, 34809, 34810, 34811 38777

35776_at 34812, 34813, 34814, 34815, 34816, 34817, 34818, 34819, 34820, 34821, 34822, 34823, 34824, 34825, 34826, 34827 38778

35846_at 34828, 34829, 34830, 34831, 34832, 34833, 34834, 34835, 34836, 34837, 34838, 34839, 34840, 34841, 34842, 34843 38779

36030_at 34844, 34845, 34846, 34847, 34848, 34849, 34850, 34851, 34852, 34853, 34854, 34855, 34856, 34857, 34858, 34859 38780

36554_at 34860, 34861, 34862, 34863, 34864, 34865, 34866, 34867, 34868, 34869, 34870, 34871, 34872, 34873, 34874, 34875 38781, 38782

36936_at 34876, 34877, 34878, 34879, 34880, 34881, 34882, 34883, 34884, 34885, 34886, 34887, 34888, 34889, 34890, 34891 38783

37005_at 34892, 34893, 34894, 34895, 34896, 34897, 34898, 34899, 34900, 34901, 34902, 34903, 34904, 34905, 34906, 34907 38784

37022_at 34908, 34909, 34910, 34911, 34912, 34913, 34914, 34915, 34916, 34917, 34918, 34919, 34920, 34921, 34922, 34923 38785

37117_at 34924, 34925, 34926, 34927, 34928, 34929, 34930, 34931, 34932, 34933, 34934, 34935, 34936, 34937, 34938, 34939 38786

37384_at 34940, 34941, 34942, 34943, 34944, 34945, 34946, 34947, 34948, 34949, 34950, 34951, 34952, 34953, 34954, 34955 38787

37408_at 34956, 34957, 34958, 34959, 34960, 34961, 34962, 34963, 34964, 34965, 34966, 34967, 34968, 34969, 34970, 34971 38788

37950_at 34972, 34973, 34974, 34975, 34976, 34977, 34978, 34979, 34980, 34981, 34982, 34983, 34984, 34985, 34986, 34987 38789

37996_s_at 34988, 34989, 34990, 34991, 34992, 34993, 34994, 34995, 34996, 34997, 34998, 34999, 35000, 35001, 35002, 35003 38790

38149_at 35004, 35005, 35006, 35007, 35008, 35009, 35010, 35011, 35012, 35013, 35014, 35015, 35016, 35017, 35018, 35019 38791

38521_at 35020, 35021, 35022, 35023, 35024, 35025, 35026, 35027, 35028, 35029, 35030, 35031, 35032, 35033, 35034, 35035 38792

38671_at 35036, 35037, 35038, 35039, 35040, 35041, 35042, 35043, 35044, 35045, 35046, 35047, 35048, 35049, 35050, 35051 38793

38703_at 35052, 35053, 35054, 35055, 35056, 35057, 35058, 35059, 35060, 35061, 35062, 35063, 35064, 35065, 35066, 35067 38794

39817_s_at 35068, 35069, 35070, 35071, 35072, 35073, 35074, 35075, 35076, 35077, 35078, 35079, 35080, 35081, 35082, 35083 38795

40225_at 35084, 35085, 35086, 35087, 35088, 35089, 35090, 35091, 35092, 35093, 35094, 35095, 35096, 35097, 35098, 35099 38796

40359_at 35100, 35101, 35102, 35103, 35104, 35105, 35106, 35107, 35108, 35109, 35110, 35111, 35112, 35113, 35114, 35115 38797

40560_at 35116, 35117, 35118, 35119, 35120, 35121, 35122, 35123, 35124, 35125, 35126, 35127, 35128, 35129, 35130, 35131 38798

41047_at 35132, 35133, 35134, 35135, 35136, 35137, 35138, 35139, 35140, 35141, 35142, 35143, 35144, 35145, 35146, 35147 38799

44702_at 35148, 35149, 35150, 35151, 35152, 35153, 35154, 35155, 35156, 35157, 35158, 35159, 35160, 35161, 35162, 35163 38800

45297_at 35164, 35165, 35166, 35167, 35168, 35169, 35170, 35171, 35172, 35173, 35174, 35175, 35176, 35177, 35178, 35179 38801

45526_g_at 35180, 35181, 35182, 35183, 35184, 35185, 35186, 35187, 35188, 35189, 35190, 35191, 35192, 35193, 35194, 35195 38802

45714_at 35196, 35197, 35198, 35199, 35200, 35201, 35202, 35203, 35204, 35205, 35206, 35207, 35208, 35209, 35210, 35211 38803

46270_at 35212, 35213, 35214, 35215, 35216, 35217, 35218, 35219, 35220, 35221, 35222, 35223, 35224, 35225, 35226, 35227 38804

46323_at 35228, 35229, 35230, 35231, 35232, 35233, 35234, 35235, 35236, 35237, 35238, 35239, 35240, 35241, 35242, 35243 38805

48117_at 35244, 35245, 35246, 35247, 35248, 35249, 35250, 35251, 35252, 35253, 35254, 35255, 35256, 35257, 35258, 35259 38806

51158_at 35260, 35261, 35262, 35263, 35264, 35265, 35266, 35267, 35268, 35269, 35270, 35271, 35272, 35273, 35274, 35275 38807

51200_at 35276, 35277, 35278, 35279, 35280, 35281, 35282, 35283, 35284, 35285, 35286, 35287, 35288, 35289, 35290, 35291 38808

52651_at 35292, 35293, 35294, 35295, 35296, 35297, 35298, 35299, 35300, 35301, 35302, 35303, 35304, 35305, 35306, 35307 38809

52940_at 35308, 35309, 35310, 35311, 35312, 35313, 35314, 35315, 3531

6,35317,35318,35319,35320,35321,35322,35323	38810
53991_at 2,35333,35334,35335,35336,35337,35338,35339	35324,35325,35326,35327,35328,35329,35330,35331,35332,38811
57588_at 8,35349,35350,35351,35352,35353,35354,35355	35340,35341,35342,35343,35344,35345,35346,35347,35348,38812
57715_at 4,35365,35366,35367,35368,35369,35370,35371	35356,35357,35358,35359,35360,35361,35362,35363,35364,38813
58696_at 0,35381,35382,35383,35384,35385,35386,35387	35372,35373,35374,35375,35376,35377,35378,35379,35380,38814
59625_at 6,35397,35398,35399,35400,35401,35402,35403	35388,35389,35390,35391,35392,35393,35394,35395,35396,38815
61734_at 2,35413,35414,35415,35416,35417,35418,35419	35404,35405,35406,35407,35408,35409,35410,35411,35412,38816
61874_at 8,35429,35430,35431,35432,35433,35434,35435	35420,35421,35422,35423,35424,35425,35426,35427,35428,38817
64064_at 4,35445,35446,35447,35448,35449,35450,35451	35436,35437,35438,35439,35440,35441,35442,35443,35444,38818
64899_at 0,35461,35462,35463,35464,35465,35466,35467	35452,35453,35454,35455,35456,35457,35458,35459,35460,38819
65517_at 6,35477,35478,35479,35480,35481,35482,35483	35468,35469,35470,35471,35472,35473,35474,35475,35476,38820
65521_at 2,35493,35494,35495,35496,35497,35498,35499	35484,35485,35486,35487,35488,35489,35490,35491,35492,38821
65588_at 8,35509,35510,35511,35512,35513,35514,35515	35500,35501,35502,35503,35504,35505,35506,35507,35508,38822
65884_at 4,35525,35526,35527,35528,35529,35530,35531	35516,35517,35518,35519,35520,35521,35522,35523,35524,38823
74694_s_at 540,35541,35542,35543,35544,35545,35546,35547	35532,35533,35534,35535,35536,35537,35538,35539,35540,38824
823_at 35557,35558,35559,35560,35561,35562,35563	35548,35549,35550,35551,35552,35553,35554,35555,35556,38825
91684_g_at 572,35573,35574,35575,35576,35577,35578,35579	35564,35565,35566,35567,35568,35569,35570,35571,35572,38826

(表 16)

配列ID	タンパク質	スプライシング
35580	1608,10395	1,165;1597,1933;8380,8496;8668,8796;9170,9340;9430,9699;10136,11167
35580	18,10395	1,165;1597,1933;8380,8496;8668,8796;9173,9340;9430,9699;10136,11167
35581	0,768043	1,451;623914,624411;629474,629815;767706,768043
35581	279256,322313	279106,279344;279436,279602;295127,295151;296588,296650;303327,303449;304986,305108;307542,307664;308505,308626;310296,310543;310689,310878;314466,314630;316013,316181;319627,319802;320991,321219;322159,322614
35581	279256,322313	279106,279344;279436,279602;295127,295151;296588,296650;303327,303449;304986,305108;307542,307664;308505,308626;310425,310543;310689,310878;314466,314630;316013,316181;319627,319802;320991,321219;322159,322614
35581	279256,322313	279120,279344;279436,279602;295127,295151;296588,296650;303327,303449;304986,305108;307542,307664;308505,308626;310425,310543;310689,310878;314466,314630;316013,316181;319627,319802;320991,321219;322159,322603
35581	279730,649565	279731,279794;328236,328359;593281,593570;614730,615006;619774,620244;635471,635817;648949,649565
35581	296093,322313	291988,292589;295073,296211;296588,296650;303327,303449;304986,305108;307542,307664;308505,308626;310425,310543;310689,310878;314466,314630;316013,316181;319627,319802;320991,321219;322159,322616
35582	3243,5255	1,65;3235,3393;4249,4526;4609,4807;4944,5702
35582	4278,5255	1,65;3235,3393;4249,4526;4609,4807;4944,5702
35582	4278,5255	3548,4526;4609,4807;4944,5702
35583	426,2401	1,34;419,507;639,762;1999,2117;2312,6150
35584	153,47406	1,197;12706,12813;16549,16648;18392,18526;27361,27559;28138,28269;39470,39569;45027,45198;46773,46917;47116,47170;47259,48188
35585	8925,34867	1,303;2192,2292;8909,8934;10686,10806;19819,19905;20668,20791;22075,22209;22366,22483;27685,27786;28445,28590;30859,30942;32827,32884;34766,34896;36660,38717
35585	8925,34867	1,303;8909,8934;10686,10806;19819,19905;20668,20791;22075,22209;22366,22483;27685,27786;28445,28590;30859,30942;32827,32884;34766,34896;36660,38717
35585	8925,34867	559,675;4896,4980;8909,8934;10686,10806;19819,19905;20668,20791;22075,22209;22366,22483;27685,27786;28445,28590;30859,30942;32827,32884;34766,34896;36660,38717
35585	8925,34867	559,675;8909,8934;10686,10806;19819,19905;20668,20791;22075,22209;22366,22483;27685,27786;28445,28590;30859,30942;32827,32884;34766,34896;36660,38717
35585	8925,34867	614,675;8909,8934;10686,10806;19819,19905;20668,20791;22075,22209;22366,22483;27685,27786;28445,28590;30859,30942;32827,32884;34766,34896;36660,38720
35585	8925,34867	63,303;8909,8934;10686,10806;19819,19905;20668,20791;22075,22209;22366,22483;27685,27786;28445,28590;30859,30942;32827,32884;34766,34896;36660,38717
35586	34,3806	1,36;1300,1386;1754,1861;2353,2451;2975,3098;323

1,3300;3730,3845
 35587 855,7468 1,57;855,963;5694,5903;6077,6205;7215,7313;7400
 ,7524
 35587 855,7468 6,57;855,963;5694,5903;6077,6205;7215,7313;7400
 ,7521
 35588 147,7738 1,334;3969,4129;5634,5806;7594,8087
 35589 79403,82021 1,28;79374,79589;79768,79898;81364,83016
 35589 64866,67440 64143,64948;65105,65142;65343,65425;66213,66
 292;67283,67847
 35589 65309,67440 64480,64574;64729,64948;65105,65425;66213,66
 292;67283,67606
 35590 82,8609 1,86;774,833;1126,1168;2447,2551;2927,3004;3347,
 3449;5276,5341;5668,5784;6530,6608;6874,6961;7728,7789;7871,7985;8209,8299;8448,
 8966
 35590 76,8609 51,86;774,833;1126,1168;2447,2551;2927,3004;3347
 ,3449;5276,5341;5668,5784;6530,6608;6874,6961;7728,7789;7871,7985;8209,8299;8448
 ,8965
 35591 26,1294 1,257;397,551;763,827;912,1026;1204,1373
 35592 36505,51886 1,274;36503,36660;43546,43666;49468,49598;49
 604,49618;51715,51885
 35592 36505,51886 1,274;36503,36660;43546,43666;49468,49598;51
 712,52946
 35593 14455,15354 1,106;14419,14603;14683,14793;14932,15056;15
 193,16550
 35593 14455,15354 69,106;14419,14603;14683,14793;14932,15056;1
 5193,16550
 35594 0,30343 1,16;16485,16551;19728,19820;20102,20161;20991,2
 1158;21952,22066;22530,22600;22695,22741;23843,24006;25568,25676;26751,26790;269
 53,27178;27329,27347;27770,27858;27864,27867;28146,28209;28772,28829;29634,29722
 ;29913,30021;30193,30227;30316,30493
 35594 15922,30343 15813,15938;16485,16551;19728,19820;20102,20
 161;20991,21158;21952,22066;22530,22600;22695,22741;23843,24006;25568,25676;2675
 1,26790;26953,27178;27329,27347;27770,27848;28129,28209;28772,28829;29634,29722;
 29913,30021;30193,30227;30316,30343
 35595 6687,29650 1,108;6685,6858;7264,7337;8138,8196;9245,9386
 ;9984,10065;10879,11071;17111,17300;20674,20787;21410,21566;23810,24025;24666,24
 785;25663,25789;27686,27765;29597,31931
 35595 6732,17298 1,55;6685,6858;7264,7337;8138,8196;9245,9386;
 9984,10029;10034,10069;10879,11071;17111,17300;20674,20787;21410,21566;23810,240
 25;24666,24785;25663,25789;27686,27765;29597,31931
 35596 37,4909 1,40;567,668;1319,1413;4084,4183;4285,4338;4616,
 5044
 35597 5232,8417 10,83;844,1008;5231,5344;5746,5787;6562,6658;7
 126,7264;7335,7419;8091,8176;8385,8661
 35597 5232,8417 1,83;844,1008;5231,5344;5746,5787;6562,6658;71
 26,7264;7335,7419;8091,8176;8385,8671
 35598 102,3069 1,169;862,910;1152,1235;1364,1441;1652,1721;183
 5,1886;2088,2278;3043,3356
 35599 339,5612 1,80;322,414;547,618;1217,1360;2440,2504;4840,4
 990;5535,5648

35599 339,5612 8,80;322,414;547,618;1217,1360;2440,2504;4840,4
990;5535,5648

35600 139,5898 1,249;2668,2772;5733,6053

35601 60,43921 1,266;4519,4598;5395,5504;6369,6561;10331,10397
;15008,15109;16677,16867;20972,21053;21728,21817;23903,24084;25169,25304;31941,3
2015;32582,32703;33792,33899;33976,34123;42537,42699;43709,44042

35601 6335,23976 6169,6561;10331,10397;15008,15109;16677,16867
;23903,24084;25169,25304;31941,32015;32582,32703;33792,34123;42389,42430;42537,4
2699;43709,44042

35602 105,17252 106,154;1111,1213;1867,2008;2416,2532;3546,387
7;7285,7396;7930,8049;9099,9215;11000,11137;11219,11296;11422,11487;12117,12386;
12664,12909;13328,13464;16208,16286;16376,16531;16901,17020;17223,17252

35602 105,17252 1,154;1111,1213;1867,2008;2416,2532;3546,3877;
7285,7396;7930,8049;9099,9215;11000,11137;11219,11296;11422,11487;12117,12386;12
664,12909;13328,13464;16208,16286;16376,16531;16901,17020;17223,17515

35603 198,72245 1,210;49170,49253;60166,60261;61790,62064;6345
9,63542;64190,64336;65536,65632;67619,67782;69147,69277;69530,69690;70877,70969;
71322,71546;72081,74282

35603 49169,72245 29,210;49170,49253;60166,60261;61790,62064;6
3459,63542;64190,64336;65536,65632;67619,67782;69147,69277;69530,69690;70877,709
69;71322,71546;72081,72245

35603 46776,72245 46777,46788;49170,49253;60166,60261;61790,62
064;63459,63542;64190,64336;65536,65632;67619,67782;69147,69277;69530,69690;7087
7,70969;71322,71546;72081,72245

35604 59,81746 1,221;52914,53028;53316,53435;57248,57334;58358
,58445;60431,60509;61709,61790;62571,62656;66783,66875;69400,69630;70241,70388;7
3852,74002;75928,76036;76251,76391;76471,76653;76745,76879;78038,78217;79271,794
17;80260,80340;81310,81468;81588,82844

35605 3431,18481 1,174;3426,3608;10788,10958;11757,11848;12048
,12109;12944,12990;13786,13944;15872,15932;16902,17023;17952,18033;18309,20799

35605 3431,18481 434,580;3426,3608;10788,10958;11757,11848;120
48,12109;12944,12990;13786,13944;15872,15932;16902,17023;17952,18033;18309,20799

35605 3431,18481 434,611;3426,3608;10788,10958;11757,11848;120
48,12109;12944,12990;13786,13944;15872,15932;16902,17023;17952,18033;18309,20799

35606 279,44242 1,449;14082,14184;16480,16628;17590,17764;2101
6,21144;22100,22150;23723,23884;24741,24845;25718,25813;26145,26270;26801,26953;
27550,27704;28801,28927;29747,29948;30206,30432;32450,32616;33021,33159;33659,33
852;34658,34820;35323,35406;36143,36250;36828,36926;37639,39933;41006,44935

35607 284,41573 1,299;716,837;12964,13054;17811,17958;19059,19
239;28209,28286;28577,28657;29010,29243;32420,32509;33774,33928;35506,35593;3794
9,38059;39024,39197;39502,39646;41466,42610

35607 284,41573 1,299;716,837;28209,28286;28577,28657;29010,29
243;32420,32509;33774,33928;35506,35593;37949,38059;39024,39197;39502,39646;4146
6,42610

35607 17868,19202 17868,17936;17939,17958;19059,19137;19142,19
201

35608 148,9311 1,165;1185,1301;2484,2968;6701,6858;7377,7500;7
737,7870;8365,8491;8877,9100;9234,9593

35608 148,9311 17,165;1185,1301;2484,2961;3635,3832;3937,4023;
4208,4349;5376,5500;6112,6235;6701,6858;7377,7500;7737,7870;8365,8491;8877,9100;

9234,9752

35608 148,9311 49,165;1185,1301;2484,2567;2637,2961;3635,3832;
3937,4023;4208,4349;5376,5500;6112,6235;6701,6858;7377,7500;7737,7870;8365,8491;
8877,9100;9234,9593

35608 148,9311 7,165;1185,1301;2484,2961;3635,3832;3937,4023;4
208,4349;5376,5500;6112,6235;6701,6858;7377,7500;7737,7870;8365,8491;8877,9100;9
234,9752

35609 284,41573 1,299;716,837;12964,13054;17811,17958;19059,19
239;28209,28286;28577,28657;29010,29243;32420,32509;33774,33928;35506,35593;3794
9,38059;39024,39197;39502,39646;41466,42610

35609 284,41573 1,299;716,837;28209,28286;28577,28657;29010,29
243;32420,32509;33774,33928;35506,35593;37949,38059;39024,39197;39502,39646;4146
6,42610

35609 17868,19202 17868,17936;17939,17958;19059,19137;19142,19
201

35610 6757,136426 1,155;6735,6794;10957,11062;18432,18567;2086
9,21114;37124,37314;39348,39569;40112,40232;40358,40453;49068,49183;52322,52487;
54604,54702;63257,63516;70326,70518;84481,84627;86903,87048;95422,95551;121951,1
22035;122961,123047;129922,130076;136352,139136

35610 6757,136426 1,155;6735,6794;10957,11062;18432,18567;2086
9,21114;37124,37314;39348,39569;40112,40232;40358,40459;49068,49183;52322,52487;
54604,54702;63257,63516;70326,70518;84481,84627;86903,87048;95422,95551;121951,1
22035;122961,123047;129922,130076;136352,139136

35610 6757,136426 83,155;6735,6794;10957,11062;18432,18567;208
69,21114;37124,37314;39348,39569;40112,40232;40358,40459;49068,49183;52322,52487
;54604,54702;63257,63516;70326,70518;83584,83625;84481,84627;86903,87048;95422,9
5551;121951,122035;122961,123047;129922,130076;136352,136822

35611 75,48664 1,144;7972,8066;20306,20390;28298,28405;44211,4
4361;44929,45032;48491,51648

35611 75,48664 29,144;7972,8066;20306,20390;28298,28405;44211,
44361;44929,45032;48491,49868;50193,51647

35611 75,49036 76,144;7972,8066;20306,20390;28298,28405;44211,
44361;44929,45021;48673,48674;48680,49036

35612 251,21290 1,439;6067,6172;7653,7747;9914,10066;11634,117
15;12602,12683;16721,16829;21134,21758

35612 251,21290 1,439;6067,6172;7653,7747;9914,10066;11634,117
15;12602,12683;16721,16829;21134,21761

35613 10820,22411 1,53;10819,10931;16779,16947;18139,18268;217
47,21840;22334,23591

35614 123,7842 1,126;4516,4546;6886,7029;7162,7277;7535,7670;7
814,9471

35614 123,7842 40,126;4516,4546;6886,7029;7171,7277;7535,7670;
7814,9470

35615 13966,35946 1,126;13790,14878;21226,21287;22248,22289;22
627,22739;23604,23656;24147,24272;25459,25584;25885,26052;28449,28580;29014,2905
7;29149,29518;31991,32213;32714,32835;35896,36990

35615 13966,35946 217,356;13790,14878;21226,21287;22248,22289;
22627,22739;23604,23656;24147,24272;25459,25584;25885,26052;28449,28580;29014,29
057;29149,29518;31991,32213;32714,32835;35896,36986

35615 13966,35946 292,356;13790,14878;21226,21287;22248,22289;

22627, 22739; 23604, 23656; 24147, 24272; 25459, 25584; 25885, 26052; 28449, 28580; 29014, 29057; 29149, 29518; 31991, 32213; 32714, 32835; 35896, 37909

35616 18591, 30778 1, 46; 18579, 18703; 19312, 19415; 20980, 21057; 23472, 23615; 23719, 23804; 25460, 25565; 26785, 26962; 28935, 29119; 29404, 29527; 29675, 29757; 30081, 30224; 30695, 31893

35617 15042, 23628 109, 856; 15041, 15154; 15297, 15366; 16259, 16357; 17742, 17831; 21840, 21902; 23306, 23330; 23608, 24754

35617 107, 23628 1, 108; 15041, 15154; 15297, 15366; 16259, 16357; 17742, 17831; 21840, 21902; 23306, 23330; 23608, 24508

35618 855, 1545 1, 132; 850, 1688

35619 14230, 91128 1, 215; 7323, 7402; 14156, 14291; 22617, 22762; 22925, 23066; 38715, 38903; 47935, 48045; 57856, 58125; 60097, 60678; 60937, 61073; 61582, 61726; 66873, 67178; 67845, 68038; 71196, 71222; 72541, 72658; 72736, 73314; 74028, 74125; 74315, 74568; 74654, 74747; 75365, 75583; 75939, 76093; 78508, 78623; 82743, 82840; 86570, 86693; 86861, 87036; 87755, 87874; 88173, 88327; 88413, 88698; 88805, 88983; 89220, 89346; 89579, 89704; 89963, 90117; 90222, 90357; 91060, 91582; 91606, 92788

35619 14230, 91128 1, 215; 7323, 7402; 14156, 14291; 22617, 22762; 22925, 23066; 38715, 38903; 47935, 48045; 57856, 58125; 60097, 60678; 60937, 61073; 61582, 61726; 66873, 67178; 67845, 68038; 71196, 71222; 72541, 72658; 72736, 73314; 74028, 74125; 74315, 74568; 74654, 74747; 75365, 75583; 75939, 76093; 78508, 78623; 82743, 82840; 86570, 86693; 86861, 87036; 87755, 87874; 88173, 88327; 88413, 88698; 88805, 88983; 89220, 89346; 89579, 89704; 89963, 90117; 90222, 90357; 91060, 91583; 91614, 92786

35619 14230, 91128 1, 215; 7323, 7402; 14156, 14291; 22617, 22762; 22925, 23066; 38715, 38903; 47935, 48045; 57856, 58125; 60097, 60678; 60937, 61073; 61582, 61726; 66873, 67178; 67845, 68038; 72541, 72658; 72736, 73314; 74028, 74125; 74315, 74568; 74654, 74747; 75365, 75583; 75939, 76093; 78508, 78623; 82743, 82840; 86570, 86693; 86861, 87036; 87755, 87874; 88173, 88327; 88413, 88698; 88805, 88983; 89220, 89346; 89579, 89704; 89963, 90117; 90222, 90357; 91060, 91582; 91606, 92788

35619 14230, 91128 1, 215; 7323, 7402; 14156, 14291; 22617, 22762; 22925, 23066; 38715, 38903; 47935, 48045; 57856, 58125; 60097, 60678; 60937, 61073; 61582, 61726; 66873, 67178; 67845, 68038; 72541, 72658; 72736, 73314; 74028, 74125; 74315, 74568; 74654, 74747; 75365, 75583; 75939, 76093; 78508, 78623; 82743, 82840; 86570, 86693; 86861, 87036; 87755, 87874; 88173, 88327; 88413, 88698; 88805, 88983; 89220, 89346; 89579, 89704; 89963, 90117; 90222, 90357; 91060, 91583; 91614, 92786

35619 14200, 48410 28, 215; 7323, 7402; 14156, 14291; 22617, 22762; 22925, 23066; 38715, 38903; 45035, 45052; 47935, 49188

35620 14230, 91128 1, 215; 7323, 7402; 14156, 14291; 22617, 22762; 22925, 23066; 38715, 38903; 47935, 48045; 57856, 58125; 60097, 60678; 60937, 61073; 61582, 61726; 66873, 67178; 67845, 68038; 71196, 71222; 72541, 72658; 72736, 73314; 74028, 74125; 74315, 74568; 74654, 74747; 75365, 75583; 75939, 76093; 78508, 78623; 82743, 82840; 86570, 86693; 86861, 87036; 87755, 87874; 88173, 88327; 88413, 88698; 88805, 88983; 89220, 89346; 89579, 89704; 89963, 90117; 90222, 90357; 91060, 91582; 91606, 92788

35620 14230, 91128 1, 215; 7323, 7402; 14156, 14291; 22617, 22762; 22925, 23066; 38715, 38903; 47935, 48045; 57856, 58125; 60097, 60678; 60937, 61073; 61582, 61726; 66873, 67178; 67845, 68038; 71196, 71222; 72541, 72658; 72736, 73314; 74028, 74125; 74315, 74568; 74654, 74747; 75365, 75583; 75939, 76093; 78508, 78623; 82743, 82840; 86570, 86693; 86861, 87036; 87755, 87874; 88173, 88327; 88413, 88698; 88805, 88983; 89220, 89346; 89579, 89704; 89963, 90117; 90222, 90357; 91060, 91583; 91614, 92786

35620 14230, 91128 1, 215; 7323, 7402; 14156, 14291; 22617, 22762; 22925, 23066; 38715, 38903; 47935, 48045; 57856, 58125; 60097, 60678; 60937, 61073; 61582, 61726;

66873,67178;67845,68038;72541,72658;72736,73314;74028,74125;74315,74568;74654,74747;75365,75583;75939,76093;78508,78623;82743,82840;86570,86693;86861,87036;87755,87874;88173,88327;88413,88698;88805,88983;89220,89346;89579,89704;89963,90117;90222,90357;91060,91582;91606,92788

35620 14230,91128 1,215;7323,7402;14156,14291;22617,22762;22925,23066;38715,38903;47935,48045;57856,58125;60097,60678;60937,61073;61582,61726;66873,67178;67845,68038;72541,72658;72736,73314;74028,74125;74315,74568;74654,74747;75365,75583;75939,76093;78508,78623;82743,82840;86570,86693;86861,87036;87755,87874;88173,88327;88413,88698;88805,88983;89220,89346;89579,89704;89963,90117;90222,90357;91060,91583;91614,92786

35620 14200,48410 28,215;7323,7402;14156,14291;22617,22762;22925,23066;38715,38903;45035,45052;47935,49188

35621 4453,32650 1299,1413;4442,4746;28303,28426;29044,29207;29292,29387;32590,34656

35621 4453,32650 1,73;4442,4746;28303,28426;29044,29207;29292,29387;32590,34656

35622 4453,32650 1299,1413;4442,4746;28303,28426;29044,29207;29292,29387;32590,34656

35622 4453,32650 1,73;4442,4746;28303,28426;29044,29207;29292,29387;32590,34656

35623 201,1638 12,287;1137,2394

35623 201,1638 1,287;1137,2394

35624 770,11398 1,49;770,924;2569,2667;5868,5976;9050,9127;11287,11888

35625 45,16592 1,189;1137,1343;4952,5086;5261,5398;13227,13331;13504,13629;13949,14155;14596,14716;14845,15029;15365,15452;16511,17448

35626 45,16505 1,189;1129,1335;4930,5063;5237,5374;13169,13273;13444,13569;13887,14087;14525,14645;14774,14955;15286,15372;16424,17355

35627 45,16592 1,189;1137,1343;4952,5086;5261,5398;13227,13331;13504,13629;13949,14155;14596,14716;14845,15029;15365,15452;16511,17448

35628 45,16505 1,189;1129,1335;4930,5063;5237,5374;13169,13273;13444,13569;13887,14087;14525,14645;14774,14955;15286,15372;16424,17355

35629 70,2613 1,181;1216,1702;1928,2068;2456,2871

35630 10769,23387 1,92;10756,10825;12283,12345;13741,13828;15263,15384;17173,17293;19357,19490;20448,20596;22722,22870;23358,25507

35631 42674,71819 1,161;42546,42697;59351,59414;59503,59534;66569,66646;67648,67753;69705,69798;71773,73256

35631 132,71819 30,161;59351,59414;59503,59534;66569,66646;67648,67753;69705,69798;71773,73256

35631 42674,71819 41029,41235;42546,42697;59351,59414;59503,59534;66569,66646;67648,67753;69705,69798;71773,73256

35631 42674,71819 41231,41444;42546,42697;59351,59414;59503,59534;66569,66646;67648,67753;69705,69798;71773,73256

35631 42674,71819 41231,41590;42338,42697;59351,59414;59503,59534;66569,66646;67648,67753;69705,69798;71773,73256

35631 42674,71819 41231,41590;42546,42697;59351,59414;59503,59534;66569,66646;67648,67753;69705,69798;71773,73256

35631 42674,71819 41631,41755;42338,42697;59351,59414;59503,59534;66569,66646;67648,67753;69705,69798;71773,73256

35631 42674,71819 41631,41755;42546,42697;59351,59414;59503,59534;66569,66646;67648,67753;69705,69798;71773,73256

534;66569,66646;67648,67753;69705,69798;71773,73256
35631 42674,70277 42046,42697;59351,59414;59503,59534;66569,66
646;67648,67753;69705,69798;70228,70277;71773,73256
35631 57411,71819 57411,57437;59351,59414;59503,59534;66569,66
646;67648,67753;69705,69798;71773,73099
35632 49,5399 1,275;1420,1516;3368,3496;4381,4435;4453,4526;48
41,6012
35632 49,5028 1,275;1420,1516;3368,3496;4381,4526;4841,6012
35633 102277,203585 101893,102386;142591,142742;155660,155833;
159706,159797;161107,161187;161577,161692;164899,165011;165799,165986;166978,167
095;168303,168461;169431,169733;171596,171749;172432,173302;173391,173528;174354
,175110;176065,176267;181212,181302;186482,186628;187822,188085;188728,188952;18
9427,189516;189693,189974;190630,190760;192485,192683;193071,193076;193114,19348
8;197108,197352;198569,198707;199413,199497;201349,201545;202653,202765;203435,2
03956
35633 102277,203585 101893,102386;142591,142742;155660,155833;
159706,159797;161107,161187;161577,161692;164899,165011;165799,165986;166978,167
095;168303,168461;169431,169733;171596,171749;172432,173302;173391,173528;174354
,175110;176065,176267;181212,181302;186482,186628;187822,188085;188728,188952;18
9427,189516;189693,189974;190630,190760;192485,192689;193114,193488;197108,19735
2;198569,198707;199413,199497;201349,201545;202653,202765;203435,203956
35633 69917,212068 1,17;69871,70065;142591,142742;155660,15583
3;159706,159797;161107,161187;161577,161692;164899,165011;165799,165986;166978,1
67095;168303,168461;169431,169733;171596,171749;172432,173302;173391,173528;1743
54,175110;176065,176267;181212,181302;186482,186628;187822,188085;188728,188952;
189427,189516;189693,189974;190630,190760;192485,192683;193071,193076;193114,193
488;197108,197352;198569,198707;199413,199497;201349,201545;202653,202765;203435
,203498;207952,208190;209414,209587;211103,211145;211850,212224
35633 69917,212068 69869,70065;142591,142742;155660,155833;159
706,159797;161107,161187;161577,161692;164899,165011;165799,165986;166978,167095
;168303,168461;169431,169733;171596,171749;172432,173302;173391,173528;174354,17
5110;176065,176267;181212,181302;186482,186628;187822,188085;188728,188952;18942
7,189516;189693,189974;190630,190760;192485,192689;193114,193488;197108,197352;1
98569,198707;199413,199497;201349,201545;202653,202765;203435,203498;207952,2081
90;209414,209587;211103,211145;211850,212224
35633 72844,73237 7,106,973,351
35633 69917,212068 760,806;69871,70065;142591,142742;155660,15
5833;159706,159797;161107,161187;161577,161692;164899,165011;165799,165986;16697
8,167095;168303,168461;169431,169733;171596,171749;172432,173302;173391,173528;1
74354,175110;176065,176267;181212,181302;186482,186628;187822,188085;188728,1889
52;189427,189516;189693,189974;190630,190760;192485,192683;193071,193076;193114,
193488;197108,197352;198569,198707;199413,199497;201349,201545;202653,202765;203
435,203498;207952,208190;209414,209587;211103,211145;211850,212068
35634 102277,203585 101893,102386;142591,142742;155660,155833;
159706,159797;161107,161187;161577,161692;164899,165011;165799,165986;166978,167
095;168303,168461;169431,169733;171596,171749;172432,173302;173391,173528;174354
,175110;176065,176267;181212,181302;186482,186628;187822,188085;188728,188952;18
9427,189516;189693,189974;190630,190760;192485,192683;193071,193076;193114,19348
8;197108,197352;198569,198707;199413,199497;201349,201545;202653,202765;203435,2
03956

35634 102277, 203585 101893, 102386; 142591, 142742; 155660, 155833;
 159706, 159797; 161107, 161187; 161577, 161692; 164899, 165011; 165799, 165986; 166978, 167
 095; 168303, 168461; 169431, 169733; 171596, 171749; 172432, 173302; 173391, 173528; 174354
 , 175110; 176065, 176267; 181212, 181302; 186482, 186628; 187822, 188085; 188728, 188952; 18
 9427, 189516; 189693, 189974; 190630, 190760; 192485, 192689; 193114, 193488; 197108, 19735
 2; 198569, 198707; 199413, 199497; 201349, 201545; 202653, 202765; 203435, 203956

35634 69917, 212068 1, 17; 69871, 70065; 142591, 142742; 155660, 15583
 3; 159706, 159797; 161107, 161187; 161577, 161692; 164899, 165011; 165799, 165986; 166978, 1
 67095; 168303, 168461; 169431, 169733; 171596, 171749; 172432, 173302; 173391, 173528; 1743
 54, 175110; 176065, 176267; 181212, 181302; 186482, 186628; 187822, 188085; 188728, 188952;
 189427, 189516; 189693, 189974; 190630, 190760; 192485, 192683; 193071, 193076; 193114, 193
 488; 197108, 197352; 198569, 198707; 199413, 199497; 201349, 201545; 202653, 202765; 203435
 , 203498; 207952, 208190; 209414, 209587; 211103, 211145; 211850, 212224

35634 69917, 212068 69869, 70065; 142591, 142742; 155660, 155833; 159
 706, 159797; 161107, 161187; 161577, 161692; 164899, 165011; 165799, 165986; 166978, 167095
 ; 168303, 168461; 169431, 169733; 171596, 171749; 172432, 173302; 173391, 173528; 174354, 17
 5110; 176065, 176267; 181212, 181302; 186482, 186628; 187822, 188085; 188728, 188952; 18942
 7, 189516; 189693, 189974; 190630, 190760; 192485, 192689; 193114, 193488; 197108, 197352; 1
 98569, 198707; 199413, 199497; 201349, 201545; 202653, 202765; 203435, 203498; 207952, 2081
 90; 209414, 209587; 211103, 211145; 211850, 212224

35634 72844, 73237 7, 106, 973, 351

35634 69917, 212068 760, 806; 69871, 70065; 142591, 142742; 155660, 15
 5833; 159706, 159797; 161107, 161187; 161577, 161692; 164899, 165011; 165799, 165986; 16697
 8, 167095; 168303, 168461; 169431, 169733; 171596, 171749; 172432, 173302; 173391, 173528; 1
 74354, 175110; 176065, 176267; 181212, 181302; 186482, 186628; 187822, 188085; 188728, 1889
 52; 189427, 189516; 189693, 189974; 190630, 190760; 192485, 192683; 193071, 193076; 193114,
 193488; 197108, 197352; 198569, 198707; 199413, 199497; 201349, 201545; 202653, 202765; 203
 435, 203498; 207952, 208190; 209414, 209587; 211103, 211145; 211850, 212068

35635 165, 18481 1, 275; 10674, 10794; 14071, 14147; 14247, 14369; 1662
 3, 16718; 17270, 17368; 18406, 19033

35636 1346, 5490 1133, 1441; 2053, 2234; 5360, 6637

35636 1346, 5490 1, 89; 1242, 1441; 2053, 2234; 5360, 6637

35636 1346, 5490 1, 89; 1341, 1441; 2053, 2234; 5360, 6637

35636 1346, 5490 45, 89; 1341, 1441; 2053, 2234; 5360, 5552

35637 88, 25848 1, 171; 16168, 16250; 18628, 18768; 20267, 20334; 21041
 , 21130; 25759, 27198

35638 15955, 45124 1, 99; 15931, 16158; 22741, 22874; 26587, 26696; 290
 15, 29107; 29820, 29869; 31744, 31871; 33758, 33839; 39003, 39134; 41137, 41226; 44271, 44366
 ; 44684, 44822; 44927, 46320

35639 526, 45693 1, 37; 444, 819; 39463, 39586; 42650, 42813; 43469, 435
 64; 45633, 47001

35640 1471, 30023 1, 94; 1466, 2188; 18592, 19116; 20147, 20300; 20600,
 21115; 23316, 23391; 26029, 26217; 28086, 28215; 29751, 30290

35641 11655, 36001 11113, 11714; 11964, 12054; 15983, 16064; 21404, 21
 512; 22706, 22853; 22975, 23130; 25799, 25913; 26024, 26094; 26549, 26683; 29711, 29884; 3020
 9, 30269; 30999, 31153; 32119, 32261; 35737, 35828; 35985, 36437

35641 116, 36001 1, 194; 11964, 12054; 15983, 16083; 21280, 21512; 2270
 6, 22853; 22975, 23130; 25799, 25913; 26024, 26094; 26549, 26683; 29711, 29884; 30209, 30269;
 30999, 31153; 32119, 32261; 35737, 35828; 35985, 36433

35641 116, 36001 1, 194; 11964, 12054; 15983, 16083; 21280, 21512; 2270

6, 22853; 22975, 23130; 25799, 25913; 26024, 26094; 26549, 26683; 29711, 29884; 30209, 30269; 30999, 31153; 32119, 32261; 35737, 35828; 35985, 36437

35642 33843, 64475 1, 91; 13342, 13434; 33835, 34039; 34783, 34937; 425
56, 42717; 44211, 44360; 45806, 45895; 48958, 49090; 50278, 50366; 50537, 50752; 53140, 53273
; 56426, 56516; 58384, 58554; 59180, 59354; 60763, 60887; 61110, 61187; 63260, 63320; 64306, 6
4714

35642 31733, 64475 31687, 31877; 33835, 34039; 34783, 34937; 42556, 42
717; 44211, 44360; 45806, 45895; 48958, 49090; 50278, 50366; 50537, 50752; 53140, 53273; 5642
6, 56516; 58384, 58554; 59180, 59354; 60763, 60887; 61110, 61187; 63260, 63320; 64306, 64714

35643 13, 20930 1, 103; 9786, 9886; 14316, 14474; 17747, 17999; 20895, 2
1431

35644 13, 20930 1, 103; 9786, 9886; 14316, 14474; 17747, 17999; 20895, 2
1431

35645 77, 5190 1, 139; 215, 290; 557, 622; 697, 769; 859, 923; 1017, 1151;
1631, 1775; 2045, 2174; 2270, 2395; 2760, 2958; 3226, 3330; 3737, 3823; 3906, 3968; 4061, 4162;
4239, 4336; 4414, 4486; 4573, 4645; 4735, 4807; 4902, 4977; 5050, 5358

35645 77, 5190 1, 139; 215, 290; 557, 622; 697, 769; 859, 923; 1017, 1151;
1631, 1775; 2045, 2234; 2270, 2395; 2760, 2958; 3226, 3330; 3737, 3823; 3906, 3968; 4061, 4162;
4239, 4336; 4414, 4486; 4573, 4645; 4735, 4807; 4902, 4977; 5050, 5358

35645 77, 5190 2, 139; 215, 290; 697, 769; 859, 923; 1017, 1151; 1631, 177
5; 2045, 2234; 2270, 2395; 2760, 2958; 3226, 3330; 3737, 3823; 3906, 3968; 4061, 4162; 4239, 433
6; 4414, 4486; 4573, 4645; 4735, 4807; 4902, 4977; 5050, 5358

35645 77, 5190 7, 139; 215, 290; 557, 622; 697, 769; 859, 923; 1017, 1151;
1631, 1775; 2045, 2174; 2270, 2395; 2760, 2958; 3226, 3330; 3737, 3823; 3906, 3968; 4061, 4162;
4239, 4336; 4414, 4486; 4573, 4645; 4735, 4807; 4902, 4977; 5050, 5356

35646 5960, 28761 1, 61; 5958, 6081; 13750, 13895; 16667, 16874; 19768,
19889; 26651, 26803; 28705, 30431

35646 5960, 28761 3, 61; 5958, 6081; 13750, 13895; 16667, 16874; 19768,
19889; 26651, 26803; 28705, 30437

35647 5960, 28761 1, 61; 5958, 6081; 13750, 13895; 16667, 16874; 19768,
19889; 26651, 26803; 28705, 30431

35647 5960, 28761 3, 61; 5958, 6081; 13750, 13895; 16667, 16874; 19768,
19889; 26651, 26803; 28705, 30437

35648 23, 4209 1, 38; 2244, 2316; 2626, 2691; 2869, 2970; 3173, 3258; 343
4, 3493; 3819, 3941; 4123, 4699

35648 23, 4209 2, 38; 2244, 2316; 2626, 2691; 2869, 2970; 3173, 3258; 343
4, 3493; 3819, 3941; 4123, 4699

35649 59, 21844 1, 106; 12093, 12157; 13568, 13643; 14431, 14556; 16973
, 17097; 18330, 18546; 19603, 19695; 20531, 20705; 20808, 20869; 21534, 21574; 21741, 23476

35650 955, 47723 1, 247; 797, 1012; 20102, 20164; 20277, 20363; 24612, 2
4850; 24936, 25018; 28004, 28141; 31201, 31253; 31331, 31417; 34440, 34595; 34681, 34789; 377
71, 37832; 38555, 38674; 38905, 39054; 40282, 40432; 44855, 45033; 45038, 45049; 45572, 45672
; 46074, 46137; 47679, 47723

35650 796, 47743 1, 247; 797, 1012; 20102, 20164; 20277, 20363; 24612, 2
4850; 24936, 25018; 28004, 28141; 31201, 31253; 31331, 31417; 34440, 34595; 34681, 34789; 377
71, 37832; 38555, 38674; 38905, 39054; 40282, 40432; 44855, 45049; 45572, 45672; 46074, 46137
; 47679, 48930

35650 796, 47743 5, 247; 797, 1012; 20102, 20164; 20277, 20363; 24612, 2
4850; 24936, 25018; 28004, 28141; 31201, 31253; 31331, 31417; 34440, 34595; 34681, 34789; 377
71, 37832; 38555, 38665; 38905, 39054; 40282, 40432; 44855, 45049; 45572, 45672; 46074, 46137

;47679,48930

35650	796,46157	5,247;797,1012;20102,20164;20277,20363;24612,2
4850;24936,25018;28004,28141;31201,31253;31331,31417;34440,34595;34681,34789;377		
71,37832;38555,38665;38905,39054;40282,40432;44855,45049;45572,45672;46074,46734		
35651	955,47723	1,247;797,1012;20102,20164;20277,20363;24612,2
4850;24936,25018;28004,28141;31201,31253;31331,31417;34440,34595;34681,34789;377		
71,37832;38555,38674;38905,39054;40282,40432;44855,45033;45038,45049;45572,45672		
;46074,46137;47679,47723		
35651	796,47743	1,247;797,1012;20102,20164;20277,20363;24612,2
4850;24936,25018;28004,28141;31201,31253;31331,31417;34440,34595;34681,34789;377		
71,37832;38555,38674;38905,39054;40282,40432;44855,45049;45572,45672;46074,46137		
;47679,48930		
35651	796,47743	5,247;797,1012;20102,20164;20277,20363;24612,2
4850;24936,25018;28004,28141;31201,31253;31331,31417;34440,34595;34681,34789;377		
71,37832;38555,38665;38905,39054;40282,40432;44855,45049;45572,45672;46074,46137		
;47679,48930		
35651	796,46157	5,247;797,1012;20102,20164;20277,20363;24612,2
4850;24936,25018;28004,28141;31201,31253;31331,31417;34440,34595;34681,34789;377		
71,37832;38555,38665;38905,39054;40282,40432;44855,45049;45572,45672;46074,46734		
35652	142,40967	1,190;12085,12195;14282,14296;18757,18972;2326
0,23332;25961,26097;27778,27927;33480,33625;37276,37408;40797,43484		
35652	142,40967	1,190;12085,12195;18757,18972;23260,23332;2596
1,26097;27778,27927;33480,33625;37276,37408;40797,43484		
35652	142,40967	70,190;12085,12195;18757,18972;23260,23332;259
61,26097;27778,27927;33480,33625;37276,37408;40797,42389		
35653	2,11185	1,187;4031,4159;9017,9088;11095,12276
35653	167,11185	6,187;4031,4159;9017,9088;11095,12518
35654	2,11185	1,187;4031,4159;9017,9088;11095,12276
35654	167,11185	6,187;4031,4159;9017,9088;11095,12518
35655	65604,103727	1,237;51819,51867;65558,65660;73182,73220;7
5195,75301;84519,84582;86476,86638;97746,97812;100461,100662;101788,102004;10362		
0,103735;104004,105766		
35656	571,3904	1,104;562,607;814,898;981,1106;2524,2711;3590,3
760;3860,4796		
35657	9221,29805	1,70;9211,9442;15167,15360;19509,19675;20430,
20490;28094,28293;29701,31214		
35657	9221,29805	20,70;9211,9442;14900,15093;19509,19675;20430
,20490;28094,28293;29701,32111		
35658	9221,29805	1,70;9211,9442;15167,15360;19509,19675;20430,
20490;28094,28293;29701,31214		
35658	9221,29805	20,70;9211,9442;14900,15093;19509,19675;20430
,20490;28094,28293;29701,32111		
35659	9221,29805	1,70;9211,9442;15167,15360;19509,19675;20430,
20490;28094,28293;29701,31214		
35659	9221,29805	20,70;9211,9442;14900,15093;19509,19675;20430
,20490;28094,28293;29701,32111		
35660	2703,11283	1,104;2249,3270;8028,8240;8674,8763;8986,9144
;9937,13117		
35660	2760,11283	1,104;2249,3270;8028,8240;8674,8763;8986,9144
;9937,13117		

35660	2760,11283	12,104;2249,3270;8028,8240;8986,9144;9937,13121
35660	2760,11283	26,104;2249,3270;8028,8240;8674,8763;8986,9144;9937,13121
35660	2760,11283	5,104;2249,2461;2759,3270;8028,8240;8674,8763;8986,9144;9937,13127
35661	361,77813	12,400;4076,4164;5906,6090;46250,46414;48724,48785;49322,49402;49979,50047;56887,57007;65546,65702;66057,66198;69737,69907;74364,74543;75339,75504;77722,80284
35661	361,77813	1,400;4076,4164;5906,6090;46250,46414;48724,48785;49322,49402;49979,50047;56887,57007;65546,65702;66057,66198;69737,69907;74364,74543;75339,75504;77722,80281
35662	299,119373	1,717;79911,80215;84859,84989;87071,87237;91114,91302;92103,92220;93160,93258;93350,93486;93903,94025;94117,94306;94617,94729;98306,98527;98646,98834;101214,101459;101980,102133;102703,102845;103809,103987;105177,105333;106927,107132;107882,107961;108983,109120;109989,110133;111243,111392;111625,111739;112969,113168;114252,114410;116987,117086;119117,122175
35663	299,119373	1,717;79911,80215;84859,84989;87071,87237;91114,91302;92103,92220;93160,93258;93350,93486;93903,94025;94117,94306;94617,94729;98306,98527;98646,98834;101214,101459;101980,102133;102703,102845;103809,103987;105177,105333;106927,107132;107882,107961;108983,109120;109989,110133;111243,111392;111625,111739;112969,113168;114252,114410;116987,117086;119117,122175
35664	1628,10589	1,401;1619,1692;3752,3928;4078,4172;4736,4801;5517,5652;6385,6494;6634,6804;7166,7312;8393,8531;9594,9716;10558,12256
35664	1628,10589	333,401;1619,1692;3752,3928;4078,4172;4736,4801;5517,5652;6385,6494;6634,6804;8441,8531;9594,9716;10558,12247
35664	1628,10589	335,401;1619,1692;3752,3928;4078,4172;4736,4801;5517,5652;6385,6494;6634,6804;7166,7204;8483,8531;9594,9716;10558,12247
35665	8925,34867	1,303;2192,2292;8909,8934;10686,10806;19819,19905;20668,20791;22075,22209;22366,22483;27685,27786;28445,28590;30859,30942;32827,32884;34766,34896;36660,38717
35665	8925,34867	1,303;8909,8934;10686,10806;19819,19905;20668,20791;22075,22209;22366,22483;27685,27786;28445,28590;30859,30942;32827,32884;34766,34896;36660,38717
35665	8925,34867	559,675;4896,4980;8909,8934;10686,10806;19819,19905;20668,20791;22075,22209;22366,22483;27685,27786;28445,28590;30859,30942;32827,32884;34766,34896;36660,38717
35665	8925,34867	559,675;8909,8934;10686,10806;19819,19905;20668,20791;22075,22209;22366,22483;27685,27786;28445,28590;30859,30942;32827,32884;34766,34896;36660,38717
35665	8925,34867	614,675;8909,8934;10686,10806;19819,19905;20668,20791;22075,22209;22366,22483;27685,27786;28445,28590;30859,30942;32827,32884;34766,34896;36660,38720
35665	8925,34867	63,303;8909,8934;10686,10806;19819,19905;20668,20791;22075,22209;22366,22483;27685,27786;28445,28590;30859,30942;32827,32884;34766,34896;36660,38717
35666	472,21237	1,539;9967,10089;12882,13019;15187,15306;16480,16608;16735,16998;21188,21563
35666	472,84063	7,539;9967,10089;12882,13019;15187,15306;16480,16608;16735,16998;25716,25878;25987,26209;27602,27791;28285,28428;29910,30146;3

1333,31513;32401,32623;33825,34026;34366,34491;37313,37453;37592,37717;38438,385
 54;38952,39032;40648,40815;44676,44858;45288,4548
 35666 472,84063 7,539;9967,10089;12882,13019;15187,15306;16480
 ,16608;16735,16998;25716,25878;25987,26209;27602,27791;28285,28428;29910,30146;3
 1333,31513;32401,32623;33825,34026;34366,34491;37313,37453;37592,37717;38438,385
 54;38952,39032;40648,40815;44676,44858;45288,4548
 35667 6210,8152 1,188;6209,6382;7776,7931;8088,10036
 35667 9281,9506 125,188;6209,6382;7776,7931;8088,9389;9392,942
 1;9423,10036
 35667 6210,8152 3,188;6209,6382;7776,7931;8088,10036
 35668 3296,7605 1,207;3064,3173;3279,3397;3681,3854;4061,4233;
 4492,4626;4757,4838;5015,5098;6154,6316;6399,6511;6605,6819;7460,7946
 35669 73,111840 1,128;2506,2605;37842,37998;41321,41398;45451,
 45527;51064,51131;52234,52347;53238,53416;55126,55210;60305,60468;61291,61375;64
 507,64670;64864,65024;66160,66284;67884,68047;77733,77823;78001,78168;79182,7932
 4;84572,84742;85447,85530;85628,85699;85796,85865;86217,86425;88395,88550;88799,
 88962;89397,89621;93692,93832;93929,94013;95093,95325;95952,96084;97762,97864;98
 686,98821;99227,99314;103065,103277;104277,104443;106445,106567;108964,109072;11
 1727,113970
 35670 29781,55581 1,310;29770,29834;34228,34374;34757,35773;37
 665,37737;38477,38595;38962,39082;46795,46931;48835,48983;49777,49925;55552,5601
 7
 35671 945,2855 12,78;939,1067;1202,1441;1883,2321;2417,2598;27
 11,3447
 35671 945,2855 1,78;939,1067;1202,1441;1883,2321;2417,2598;271
 1,3446
 35671 945,2855 945,1067;1202,1441;1883,2321;2417,2598;2711,344
 6
 35672 10937,21340 10906,10993;11417,11525;14079,14199;16671,16
 719;16827,16924;17127,17206;17665,17765;20148,20223;21317,23154
 35672 10937,20223 1,55;10908,10993;11417,11525;14079,14199;166
 71,16719;16827,16924;17127,17206;17665,17765;20148,20223;21317,23378
 35673 1,19563 1,196;357,475;13043,13160;13863,13942;14124,1428
 5;14398,14512;17245,17364;19402,19898
 35674 1427,13230 1,115;1425,1600;2883,3135;4899,4981;5523,5618
 ;6025,6118;6783,6951;9979,10078;11028,11273;11784,11958;12239,12417;13077,13689
 35674 1427,13230 1,115;1425,1600;2883,3135;4899,4981;5523,5624
 ;6025,6118;6783,6951;9979,10078;11028,11273;11784,11958;12239,12417;13077,13689
 35674 1427,13230 359,493;1425,1600;2883,3135;4899,4981;5523,56
 18;6025,6118;6783,6951;9979,10078;11028,11273;11784,11958;12239,12417;13077,1368
 9
 35674 1427,13230 359,493;1425,1600;2883,3135;4899,4981;5523,56
 24;6025,6118;6783,6951;9979,10078;11028,11273;11784,11958;12239,12417;13077,1368
 9
 35675 1427,13230 1,115;1425,1600;2883,3135;4899,4981;5523,5618
 ;6025,6118;6783,6951;9979,10078;11028,11273;11784,11958;12239,12417;13077,13689
 35675 1427,13230 1,115;1425,1600;2883,3135;4899,4981;5523,5624
 ;6025,6118;6783,6951;9979,10078;11028,11273;11784,11958;12239,12417;13077,13689
 35675 1427,13230 359,493;1425,1600;2883,3135;4899,4981;5523,56
 18;6025,6118;6783,6951;9979,10078;11028,11273;11784,11958;12239,12417;13077,1368

9

35675 1427,13230 359,493;1425,1600;2883,3135;4899,4981;5523,56
24;6025,6118;6783,6951;9979,10078;11028,11273;11784,11958;12239,12417;13077,1368

9

35676 269,9380 1,107;255,477;946,1145;1291,1383;1499,2020;6917
,7037;7187,7356;7465,7643;8555,8675;9276,9807

35676 4,9380 1,107;258,374;850,867;946,1145;1291,1383;1499,202
0;6917,7037;7187,7356;7465,7643;8555,8675;9276,9807

35677 1597,3107 12,74;1592,1700;1804,1910;1993,2131;2215,2296;
2645,2715;3091,3834

35677 1597,3107 1,74;1592,1700;1804,1910;1993,2131;2215,2296;2
645,2715;3091,3834

35678 64,18544 1,67;5326,5479;6120,6226;8687,8812;9680,9732;10
227,10398;13445,13609;14674,14862;15502,15599;15989,16121;16909,17115;18323,1868

7

35678 61,18544 6,67;5326,5479;6120,6226;8687,8812;9680,9732;10
227,10398;13445,13609;14674,14862;15502,15599;15989,16121;16909,17115;18323,1868

7

35679 44647,88161 1,365;44458,44679;71731,71815;72375,72449;73
351,73557;76522,76690;79014,79116;80419,80647;82864,82965;86523,86679;88088,9195

3

35679 71731,88161 1,365;44458,44679;71731,71815;72375,72449;73
351,73557;76522,76690;79014,79116;80419,80647;82864,82965;86523,86679;88088,9195

3

35680 44647,88161 1,365;44458,44679;71731,71815;72375,72449;73
351,73557;76522,76690;79014,79116;80419,80647;82864,82965;86523,86679;88088,9195

3

35680 71731,88161 1,365;44458,44679;71731,71815;72375,72449;73
351,73557;76522,76690;79014,79116;80419,80647;82864,82965;86523,86679;88088,9195

3

35681 46,2083 1,49;428,513;1640,1874;1970,2114

35682 300,8810 1,381;1580,1652;1772,1874;4660,4825;6319,6419;7
537,7648;8673,9243

35683 38,2855 1,153;1336,1459;1571,1655;1730,1862;2160,2245;25
21,2608;2737,3300

35683 38,2855 14,153;1336,1459;1571,1655;1730,1862;2160,2245;2
521,2608;2737,3300

35684 482,2195 1,86;474,518;837,901;1817,2314

35685 490,13919 110,517;1050,1332;5352,5482;7413,7618;9518,975
0;13720,17820

35685 490,13919 1,517;1050,1332;5352,5482;7413,7618;9518,9750;
13720,17816

35686 90415,174461 1,502;90396,90637;111342,111410;160925,1610
47;167397,167510;172101,173324;174336,174460

35686 179034,236118 178887,180237;211752,211858;213375,213590;
217175,217358;217989,218048;218170,218462;219948,220061;221937,222029;231763,231
844;233915,234027;235923,236117

35686 179034,236244 178962,180237;211752,211858;213375,213590;
217175,217358;217989,218048;218170,218462;219948,220061;221937,222029;231763,231
844;233915,234027;235923,236112;236236,238579

35686	196784, 211904	196700, 198251; 211752, 212355
35686	218340, 236118	218340, 218417; 221937, 222029; 231763, 231844;
233915, 234027; 235923, 236117		
35686	363, 236342	362, 502; 90396, 90637; 111342, 111410; 160925, 1610
47; 167397, 167510; 170434, 170556; 172101, 173324; 174336, 174458; 211752, 211858; 213375,		
213590; 217175, 217358; 217989, 218048; 218170, 218462; 231763, 231844; 233915, 234027; 235		
923, 236112; 236337, 237407		
35686	90415, 236342	366, 502; 90396, 90637; 111342, 111410; 160925, 16
1047; 167397, 167510; 172101, 173324; 174336, 174458; 211752, 211858; 213375, 213590; 21717		
5, 217358; 217989, 218048; 218170, 218462; 231763, 231844; 233915, 234027; 235923, 236112; 2		
36337, 237407		
35686	90415, 236244	54, 503; 90396, 90637; 111342, 111410; 160925, 161
047; 167397, 167510; 170434, 170556; 172101, 173324; 174336, 174458; 211752, 211858; 213375		
, 213590; 217175, 217358; 217989, 218048; 218170, 218462; 219948, 220061; 221937, 222029; 23		
1763, 231844; 233915, 234027; 235923, 236112; 236236, 238579		
35686	316, 113818	55, 502; 90395, 90637; 111342, 111410; 113810, 11619
5		
35686	90415, 113818	55, 503; 90396, 90637; 111342, 111410; 113810, 116
195		
35687	90415, 174461	1, 502; 90396, 90637; 111342, 111410; 160925, 1610
47; 167397, 167510; 172101, 173324; 174336, 174460		
35687	179034, 236118	178887, 180237; 211752, 211858; 213375, 213590;
217175, 217358; 217989, 218048; 218170, 218462; 219948, 220061; 221937, 222029; 231763, 231		
844; 233915, 234027; 235923, 236117		
35687	179034, 236244	178962, 180237; 211752, 211858; 213375, 213590;
217175, 217358; 217989, 218048; 218170, 218462; 219948, 220061; 221937, 222029; 231763, 231		
844; 233915, 234027; 235923, 236112; 236236, 238579		
35687	196784, 211904	196700, 198251; 211752, 212355
35687	218340, 236118	218340, 218417; 221937, 222029; 231763, 231844;
233915, 234027; 235923, 236117		
35687	363, 236342	362, 502; 90396, 90637; 111342, 111410; 160925, 1610
47; 167397, 167510; 170434, 170556; 172101, 173324; 174336, 174458; 211752, 211858; 213375,		
213590; 217175, 217358; 217989, 218048; 218170, 218462; 231763, 231844; 233915, 234027; 235		
923, 236112; 236337, 237407		
35687	90415, 236342	366, 502; 90396, 90637; 111342, 111410; 160925, 16
1047; 167397, 167510; 172101, 173324; 174336, 174458; 211752, 211858; 213375, 213590; 21717		
5, 217358; 217989, 218048; 218170, 218462; 231763, 231844; 233915, 234027; 235923, 236112; 2		
36337, 237407		
35687	90415, 236244	54, 503; 90396, 90637; 111342, 111410; 160925, 161
047; 167397, 167510; 170434, 170556; 172101, 173324; 174336, 174458; 211752, 211858; 213375		
, 213590; 217175, 217358; 217989, 218048; 218170, 218462; 219948, 220061; 221937, 222029; 23		
1763, 231844; 233915, 234027; 235923, 236112; 236236, 238579		
35687	316, 113818	55, 502; 90395, 90637; 111342, 111410; 113810, 11619
5		
35687	90415, 113818	55, 503; 90396, 90637; 111342, 111410; 113810, 116
195		
35688	41, 19786	1, 102; 5957, 6116; 7331, 7496; 11133, 11226; 11582, 117
68; 11875, 12000; 13388, 13507; 15825, 15987; 16091, 16264; 16427, 16512; 17172, 17257; 18139		
, 18265; 18968, 19111; 19687, 19948		
35688	3252, 19786	15, 102; 3218, 3397; 5957, 6116; 7331, 7496; 11133, 11

226;11582,11768;11875,12000;13388,13507;15825,15987;16091,16264;16427,16512;17172,17257;18139,18265;18968,19111;19687,19785

35689 67,77650 1,112;6186,6270;11442,11541;12797,12953;13929,14068;15975,16069;21197,21323;21999,22191;23937,24108;26234,26467;27376,27460;27947,28006;35399,35509;39117,39253;40142,40349;41095,41207;45200,45317;49113,49472;57632,57865;59051,59313;62198,62249;63057,63266;63611,63683;64998,65077;65598,65699;66215,66370;66840,67037;67736,67909;73057,73217;74308,74386;77333,77397;77499,77649

35689 11527,77650 11469,11541;12797,12953;13929,14068;15975,16069;21197,21323;21999,22191;23937,24108;26234,26467;27376,27460;27947,28006;35399,35509;39117,39253;40142,40349;41095,41207;45200,45317;49113,49472;57632,57865;59051,59313;62198,62249;63057,63266;63611,63683;64998,65077;65598,65699;66215,66370;66840,67037;67736,67909;73057,73217;74308,74386;77333,77397;77499,77854

35690 51,10517 1,146;3980,4136;8015,8161;8909,9055;10389,11461

35691 124,3372 1,178;674,838;987,1217;2241,2345;2743,2966;3050,3184;3261,3725

35691 124,3372 1,178;707,838;987,1217;2241,2345;2743,2966;3050,3184;3261,3725

35691 124,3372 1,178;987,1217;2241,2345;2743,2966;3050,3184;3261,3725

35692 195,19257 11,297;9089,9267;13085,13502;16226,16367;17005,17156;19231,20029

35692 195,19257 1,297;9089,9267;13085,13502;16226,16367;17005,17156;19231,20028

35693 2514,5050 1,172;2426,2571;2784,2822;2942,3048;3601,3664;3747,3909;4001,4067;4347,4548;4647,4863;4944,5417

35694 186,1895 1,188;616,693;970,1083;1416,1545;1833,2269

35694 186,1895 80,188;616,693;970,1083;1416,1545;1833,2271

35695 3317,25714 1,56;3201,3689;6472,6720;6824,6921;7018,7165;7712,7830;7923,8000;8092,8254;8338,8538;9076,9213;9303,9426;9605,9741;9843,10036;10190,10303;10397,10540;11778,11901;11984,12144;12230,12320;12414,12583;12775,12892;12992,13254;13975,14572;14657,14830;14916,15078;15156,15316;15408,15578;15994,16117;16207,16363;16939,17128;17288,17311;19490,19737;19851,19946;20079,20181;20271,20411;20519,20647;20835,21008;21105,21266;21358,21561;21638,21790;21887,22009;22115,22381;22541,22678;22866,22981;23521,23653;24355,24531;24695,24913;24997,25200;25526,25965

35695 3281,25714 1,56;3201,3689;6472,6720;6824,6921;7018,7165;7712,7830;7923,8000;8092,8254;8338,8538;9076,9213;9303,9426;9605,9741;9843,10036;10190,10303;10397,10540;11778,11901;11984,12144;12230,12320;12414,12583;12775,12892;12992,13254;13975,14572;14657,14830;14916,15078;15156,15316;15408,15578;15994,16117;16207,16363;16939,17128;19490,19737;19851,19946;20079,20181;20271,20411;20519,20647;20835,21008;21105,21266;21358,21561;21638,21794;21891,22009;22115,22381;22541,22678;22866,22981;23521,23653;24355,24531;24695,24913;24997,25200;25526,25965

35695 3317,25714 3279,3689;6472,6720;6824,6921;7018,7165;7712,7830;7923,8000;8092,8254;8338,8538;9076,9213;9303,9426;9605,9741;9843,10036;10190,10303;10397,10540;11778,11901;11984,12144;12230,12320;12414,12583;12775,12892;12992,13254;13975,14572;14657,14830;14916,15078;15156,15316;15408,15578;15994,16117;16207,16363;16939,17128;17288,17311;19490,19737;19851,19946;20079,20181;20271,20411;20519,20647;20835,21008;21105,21266;21358,21561;21638,21794;21891,22009;

22115, 22381; 22541, 22678; 22866, 22981; 23521, 23653; 24355, 24531; 24695, 24913; 24997, 2500; 25526, 26033

35696 128, 18383 1, 168; 7875, 8070; 8305, 8498; 10214, 10294; 18244, 19997

35697 2, 19971 1, 281; 3590, 3642; 5114, 5203; 8268, 8376; 9651, 9793; 11148, 11269; 11610, 11742; 12428, 12567; 15369, 15465; 15550, 15660; 16074, 16204; 16346, 16580; 19109, 19222; 19956, 20532

35697 155, 19971 6, 281; 3590, 3642; 5114, 5203; 8268, 8376; 9651, 9793; 11148, 11269; 11610, 11742; 12428, 12567; 15369, 15465; 15550, 15660; 16074, 16204; 16346, 16580; 19109, 19222; 19956, 20534

35698 488, 87237 1, 514; 49450, 49640; 58728, 58879; 59301, 59385; 63215, 63333; 63462, 63667; 72404, 72510; 78267, 78414; 79116, 79330; 80471, 80664; 81234, 81344; 82804, 83294; 84173, 84299; 84552, 84666; 85002, 85175; 87086, 89273

35699 488, 87237 1, 514; 49450, 49640; 58728, 58879; 59301, 59385; 63215, 63333; 63462, 63667; 72404, 72510; 78267, 78414; 79116, 79330; 80471, 80664; 81234, 81344; 82804, 83294; 84173, 84299; 84552, 84666; 85002, 85175; 87086, 89273

35700 341, 2971 1, 68; 329, 533; 657, 811; 884, 1016; 1400, 1571; 2242, 2365; 2523, 2712; 2792, 3175

35701 38, 6255 1, 177; 4110, 4384; 4686, 4866; 6086, 7168

35701 38, 6255 1, 177; 4110, 4384; 4686, 4866; 6086, 7171

35702 83, 23340 1, 161; 3174, 3286; 9566, 9653; 11631, 11893; 14380, 14456; 15202, 15280; 17718, 17811; 23272, 25632

35703 153, 8272 1, 258; 2152, 2296; 2743, 2885; 3720, 3840; 4102, 4258; 4864, 4954; 5053, 5136; 5406, 5591; 6131, 6370; 8165, 8966

35703 153, 8272 1, 258; 2152, 2296; 2743, 2885; 3720, 3840; 4102, 4258; 4864, 4954; 5053, 5136; 5406, 5591; 6131, 6370; 8165, 8970

35704 153, 8272 1, 258; 2152, 2296; 2743, 2885; 3720, 3840; 4102, 4258; 4864, 4954; 5053, 5136; 5406, 5591; 6131, 6370; 8165, 8966

35704 153, 8272 1, 258; 2152, 2296; 2743, 2885; 3720, 3840; 4102, 4258; 4864, 4954; 5053, 5136; 5406, 5591; 6131, 6370; 8165, 8970

35705 82, 428181 1, 129; 14358, 15347; 171125, 171303; 184267, 184333; 185933, 186038; 188420, 188494; 193538, 193679; 194204, 194227; 211963, 212082; 214516, 214858; 393857, 393992; 397514, 397612; 401428, 401649; 406692, 406841; 416862, 416956; 418830, 418962; 424469, 424676; 427190, 427355; 427880, 428013; 428168, 428213; 429147, 431344

35705 14439, 428181 1, 129; 14358, 15347; 171125, 171303; 184267, 184333; 33; 185933, 186038; 188420, 188494; 193538, 193679; 194204, 194227; 211963, 212082; 214516, 214858; 393857, 393992; 397514, 397612; 401428, 401649; 406692, 406841; 416862, 416956; 418830, 418962; 424469, 424676; 427190, 427355; 427880, 428013; 428168, 428213; 429148, 431350

35705 393857, 418938 134590, 134835; 171125, 171303; 184267, 184333; 185933, 186038; 188420, 188494; 193538, 193679; 194204, 194227; 211963, 212082; 214516, 214858; 393857, 393992; 397514, 397612; 401428, 401649; 406692, 406841; 416862, 416956; 418830, 418962; 424469, 424676; 427190, 427355; 427880, 428013; 429148, 429422

35705 334975, 429320 334976, 335106; 380658, 381329; 393857, 393992; 397514, 397612; 401428, 401649; 406692, 406841; 416862, 416956; 418830, 418962; 424469, 424676; 427190, 427355; 427880, 428013; 429148, 431350

35706 394, 31969 1, 595; 4813, 4864; 5292, 5389; 8105, 8235; 10518, 10689; 12276, 12374; 14400, 14684; 18019, 18177; 18964, 19577; 20265, 20439; 24421, 24506; 25476, 25580; 26980, 27065; 27331, 27523; 30896, 31055; 31832, 33967

35706 397, 31969 1, 595; 4813, 4864; 5292, 5389; 8105, 8235; 10518, 10689; 12276, 12374; 14400, 14684; 18019, 18177; 18964, 19577; 20265, 20439; 24421, 24506; 25476,

25580;26980,27065;27331,27523;30896,31055;31832,33967
35706 397,31969 392,595;4813,4864;5292,5389;8105,8235;10518,10
689;12276,12374;14400,14684;18964,19577;20265,20439;24421,24506;25518,25580;2698
0,27065;27331,27523;30896,31055;31832,33967
35707 394,31969 1,595;4813,4864;5292,5389;8105,8235;10518,1068
9;12276,12374;14400,14684;18019,18177;18964,19577;20265,20439;24421,24506;25476,
25580;26980,27065;27331,27523;30896,31055;31832,33967
35707 397,31969 1,595;4813,4864;5292,5389;8105,8235;10518,1068
9;12276,12374;14400,14684;18019,18177;18964,19577;20265,20439;24421,24506;25476,
25580;26980,27065;27331,27523;30896,31055;31832,33967
35707 397,31969 392,595;4813,4864;5292,5389;8105,8235;10518,10
689;12276,12374;14400,14684;18964,19577;20265,20439;24421,24506;25518,25580;2698
0,27065;27331,27523;30896,31055;31832,33967
35708 75,22312 1,102;7760,7950;9189,9264;10838,10987;11814,119
26;12407,12614;12707,12794;12896,13013;17711,17905;22180,23075
35708 75,22312 28,102;7760,7950;9189,9264;10838,10987;11814,11
926;12407,12614;12707,12794;12896,13013;17711,17905;22180,23075
35709 23,3073 1,87;218,487;732,1007;1629,1904;2029,2145;2896,2
928;3033,3075;3241,3799
35709 23,3073 24,87;218,487;732,1007;1629,1904;2029,2145;2878,
2928;3033,3073
35710 82,428181 1,129;14358,15347;171125,171303;184267,184333;
185933,186038;188420,188494;193538,193679;194204,194227;211963,212082;214516,214
858;393857,393992;397514,397612;401428,401649;406692,406841;416862,416956;418830
,418962;424469,424676;427190,427355;427880,428013;428168,428213;429147,431344
35710 14439,428181 1,129;14358,15347;171125,171303;184267,1843
33;185933,186038;188420,188494;193538,193679;194204,194227;211963,212082;214516,
214858;393857,393992;397514,397612;401428,401649;406692,406841;416862,416956;418
830,418962;424469,424676;427190,427355;427880,428013;428168,428213;429148,431350
35710 393857,418938 134590,134835;171125,171303;184267,184333;
185933,186038;188420,188494;193538,193679;194204,194227;211963,212082;214516,214
858;393857,393992;397514,397612;401428,401649;406692,406841;416862,416956;418830
,418962;424469,424676;427190,427355;427880,428013;429148,429422
35710 334975,429320 334976,335106;380658,381329;393857,393992;
397514,397612;401428,401649;406692,406841;416862,416956;418830,418962;424469,424
676;427190,427355;427880,428013;429148,431350
35711 82,428181 1,129;14358,15347;171125,171303;184267,184333;
185933,186038;188420,188494;193538,193679;194204,194227;211963,212082;214516,214
858;393857,393992;397514,397612;401428,401649;406692,406841;416862,416956;418830
,418962;424469,424676;427190,427355;427880,428013;428168,428213;429147,431344
35711 14439,428181 1,129;14358,15347;171125,171303;184267,1843
33;185933,186038;188420,188494;193538,193679;194204,194227;211963,212082;214516,
214858;393857,393992;397514,397612;401428,401649;406692,406841;416862,416956;418
830,418962;424469,424676;427190,427355;427880,428013;428168,428213;429148,431350
35711 393857,418938 134590,134835;171125,171303;184267,184333;
185933,186038;188420,188494;193538,193679;194204,194227;211963,212082;214516,214
858;393857,393992;397514,397612;401428,401649;406692,406841;416862,416956;418830
,418962;424469,424676;427190,427355;427880,428013;429148,429422
35711 334975,429320 334976,335106;380658,381329;393857,393992;
397514,397612;401428,401649;406692,406841;416862,416956;418830,418962;424469,424

676;427190,427355;427880,428013;429148,431350

35712 95,29078 1,122;2388,2449;3358,3408;3501,3563;4633,4729;1
3187,13304;17251,17437;19259,19408;20729,20861;21029,21110;26055,26235;27081,273
26;27587,27718;28973,29305

35712 95,29078 19,122;2388,2449;3358,3408;3501,3563;4633,4729;
13187,13304;17251,17437;19259,19408;20729,20861;21029,21110;26055,26235;27081,27
326;27587,27718;28973,29307

35713 94,73939 1,171;68070,68130;69930,70137;73887,73939
35713 30344,90785 30025,30505;31466,31581;62284,63397;68070,68
130;69930,70137;73887,73939;78924,79049;81232,81308;82986,83029;85049,85209;8605
1,86157;89461,89581;90717,93537;93546,95789

35713 30344,90785 30025,30505;31466,31581;62284,63397;68070,68
130;69930,70137;73887,73939;78924,79049;81232,81308;82986,83029;85049,85209;8605
1,86157;89461,89581;90717,95789

35713 94,73939 39,171;66752,66787;68070,68130;69930,70137;7388
7,73939

35713 63353,90785 63354,63397;66752,66787;68070,68130;69930,70
137;73887,73939;78924,79049;81232,81308;82986,83029;85049,85209;86051,86157;8946
1,89581;90717,90879

35714 2789,8405 1,156;2766,2840;3824,4015;5161,5292;6758,7010;
7276,8725

35715 26,2437 1,129;279,421;2354,2626

35715 26,2437 1,129;279,421;2354,2629

35716 11,41706 1,235;24447,24558;28853,28926;40704,40830;41584
,45120

35717 94,120056 1,262;44970,45040;72557,72707;72862,72970;7461
7,74739;76630,76790;84341,84431;85253,85400;91083,91236;91910,92085;96158,96348;
97543,97742;99091,99219;102835,102984;105707,105815;106938,107240;109117,109241;
110858,111043;113796,113999;116071,116274;116682,116786;119910,122039

35717 94,120056 1,262;44970,45040;72557,72707;72862,72970;7461
7,74739;76630,76790;84341,84431;85253,85400;91083,91236;91910,92085;96158,96348;
97543,97742;99091,99219;102835,102984;105707,105815;106938,107240;109117,109241;
110858,111043;113796,113999;116071,116274;116682,116786;119910,122041

35717 94,120056 1,262;44970,45040;72557,72707;72862,72970;7461
7,74739;76630,76790;84341,84431;85253,85400;91083,91236;91910,92085;96158,96348;
97543,97742;99091,99219;102835,102984;105707,105815;106938,107240;109117,109241;
110858,111043;116071,116274;116682,116786;119910,122039

35717 94,120056 1,262;44970,45040;72557,72707;72862,72970;7461
7,74739;76630,76790;84341,84431;85253,85400;91083,91236;91910,92085;96158,96348;
97543,97742;99091,99219;102835,102984;105707,105815;106938,107240;109117,109241;
110858,111043;116071,116274;116682,116786;119910,122041

35718 94,120056 1,262;44970,45040;72557,72707;72862,72970;7461
7,74739;76630,76790;84341,84431;85253,85400;91083,91236;91910,92085;96158,96348;
97543,97742;99091,99219;102835,102984;105707,105815;106938,107240;109117,109241;
110858,111043;113796,113999;116071,116274;116682,116786;119910,122039

35718 94,120056 1,262;44970,45040;72557,72707;72862,72970;7461
7,74739;76630,76790;84341,84431;85253,85400;91083,91236;91910,92085;96158,96348;
97543,97742;99091,99219;102835,102984;105707,105815;106938,107240;109117,109241;
110858,111043;113796,113999;116071,116274;116682,116786;119910,122041

35718 94,120056 1,262;44970,45040;72557,72707;72862,72970;7461

7,74739;76630,76790;84341,84431;85253,85400;91083,91236;91910,92085;96158,96348;
 97543,97742;99091,99219;102835,102984;105707,105815;106938,107240;109117,109241;
 110858,111043;116071,116274;116682,116786;119910,122039
 35718 94,120056 1,262;44970,45040;72557,72707;72862,72970;7461
 7,74739;76630,76790;84341,84431;85253,85400;91083,91236;91910,92085;96158,96348;
 97543,97742;99091,99219;102835,102984;105707,105815;106938,107240;109117,109241;
 110858,111043;116071,116274;116682,116786;119910,122041
 35719 147,16522 1,182;1114,1182;11365,11461;11665,11726;12056,
 12154;12758,12918;13113,13257;13907,13972;14188,14226;14400,14477;14567,14638;14
 895,14997;15104,15195;16435,16899
 35719 147,16522 15,182;1114,1182;11364,11461;11665,11726;12056
 ,12154;12758,12918;13113,13257;13907,13972;14188,14226;14400,14477;14567,14638;1
 4895,14997;15104,15195;16435,16899
 35719 147,16522 56,182;1114,1182;11320,11334;11365,11461;11665
 ,11726;12056,12154;12758,12918;13113,13257;13907,13972;14188,14226;14400,14477;1
 4567,14638;14895,14997;15104,15195;16435,17058
 35720 98,43117 1,542;18211,18291;18844,18899;20253,20316;26710
 ,26804;32032,32211;33815,33952;34042,34179;34626,34706;35594,35717;37085,37176;4
 1463,41525;42997,44377
 35720 98,43117 1,542;18211,18291;18844,18899;20253,20316;26710
 ,26804;32032,32211;33815,33952;34042,34179;34626,34706;35594,35717;37085,37176;4
 1463,41525;42997,44379
 35721 7467,40043 1,118;7439,7531;12295,12399;18407,18629;22966
 ,23073;28023,28235;32454,32529;33659,33852;37657,37747;40005,40376
 35721 7467,40043 1,118;7439,7531;12295,12399;18407,18629;22966
 ,23073;28023,28235;32454,32529;33659,33852;37657,37747;40005,40378
 35722 269,26238 1,464;2234,2449;4989,5148;15071,15219;26089,31
 579
 35723 269,26238 1,464;2234,2449;4989,5148;15071,15219;26089,31
 579
 35724 120,20838 1,337;6615,6652;8043,8160;13132,13243;18331,18
 384;19689,19724;20667,21122
 35724 120,20838 1,337;6615,6652;8043,8160;13132,13243;20667,21
 122
 35724 120,20838 39,337;6615,6652;8043,8160;13132,13243;20667,2
 1122
 35724 120,20838 56,337;6615,6652;8043,8160;13132,13243;18331,1
 8384;19689,19724;20667,21122
 35725 14104,17062 11129,11355;14084,14216;14300,14511;15496,15
 550;15668,15828;16156,16239;16349,16523;16680,16879;16967,17263
 35725 14104,17062 12573,12777;14084,14216;14300,14511;15496,15
 550;15668,15828;16156,16239;16349,16523;16680,16879;16967,17263
 35725 14104,17062 1,349;2022,2177;10579,11098;11274,11355;1408
 4,14216;14300,14511;15496,15550;15668,15828;16156,16239;16349,16523;16680,16879;
 16967,17263
 35725 14104,17062 20,67;314,349;1634,1777;2022,2177;10579,1109
 8;11274,11355;14084,14216;14300,14511;15496,15550;15668,15828;16156,16239;16349,
 16523;16680,16879;16967,17263
 35725 14104,17062 20,67;314,349;1634,1777;2022,2177;10579,1109
 8;11274,11355;14084,14216;14300,14511;15496,15550;15668,15828;16156,16239;16349,

16523;16680,16879;16967,17264

35726 170,7134 1,304;1002,1115;2959,3052;6247,6431;7011,7340

35727 57040,58718 1,231;55998,57123;57397,57472;58677,60664

35727 57040,58718 56649,56897;56971,57123;57397,57472;58677,60664

35727 57040,58718 56725,57123;57397,57472;58677,60664

35728 57040,58718 1,231;55998,57123;57397,57472;58677,60664

35728 57040,58718 56649,56897;56971,57123;57397,57472;58677,60664

35728 57040,58718 56725,57123;57397,57472;58677,60664

35729 57040,58718 1,231;55998,57123;57397,57472;58677,60664

35729 57040,58718 56649,56897;56971,57123;57397,57472;58677,60664

35729 57040,58718 56725,57123;57397,57472;58677,60664

35730 3825,17533 1,24;3802,3953;5369,5497;8848,8958;10886,10970;11365,11526;13057,13248;14513,14694;17389,17681

35731 105,15721 1,162;5380,5439;6005,6178;7349,7475;9150,9241;10559,10651;11417,11572;11754,11825;13720,13787;14984,15092;15557,15915

35732 9931,56385 1,152;9906,9948;17589,17679;18385,18479;19041,19154;20511,20601;21497,21576;23349,23405;24645,24738;25261,25356;26543,26601;28303,28425;29593,29651;31352,31430;33465,33546;34821,34915;35572,35685;38442,38532;39995,40074;40652,40705;47188,47205;47986,48079;49282,49377;52529,52587;54140,54262;56325,56723

35732 9931,56385 1,152;9906,9948;17589,17679;18385,18479;19041,19154;20511,20601;21497,21576;23349,23405;24645,24738;25261,25356;26543,26601;28303,28425;29593,29651;31352,31430;33465,33546;34821,34915;35572,35685;38442,38532;39995,40074;40652,40705;47986,48079;49282,49377;52529,52587;54140,54262;56325,56723

35732 9931,56385 1,152;9906,9948;17589,17683;18389,18479;19041,19154;20511,20601;21497,21576;23349,23405;24645,24738;25261,25356;26543,26601;28303,28425;29593,29651;31352,31430;33465,33546;34821,34915;35572,35685;38442,38532;39995,40074;40652,40705;47188,47205;47986,48079;49282,49377;52529,52587;54140,54262;56325,56723

35732 9931,56385 1,152;9906,9948;17589,17683;18389,18479;19041,19154;20511,20601;21497,21576;23349,23405;24645,24738;25261,25356;26543,26601;28303,28425;29593,29651;31352,31430;33465,33546;34821,34915;35572,35685;38442,38532;39995,40074;40652,40705;47986,48079;49282,49377;52529,52587;54140,54262;56325,56723

35733 14034,26354 1,30;2869,2984;14016,14100;19008,19109;26136,33467

35733 14034,26354 1,97;14016,14100;19008,19109;26136,33467

35733 14034,26354 1,97;2869,2984;5011,5055;14016,14100;19008,19109;26136,33467

35733 14034,26354 1,97;5011,5055;14016,14100;19008,19109;26136,33467

35734 586,16897 1,38;565,637;2195,2693;4351,4485;8326,8529;8724,8863;14033,14252;16644,17162

35734 2194,2692 2195,2326;2492,2692

35735 226,8173 1,268;939,971;1110,1172;1367,1471;4244,4292;4688,4800;5287,5394;5540,5607;5707,5761;5889,5975;8093,10353

35735	226,8173	1,268;939,971;1110,1172;1367,1471;4244,4292;468 8,4800;5326,5394;5540,5607;5707,5761;5889,5975;8093,10353
35736	23213,67496	1,364;23213,23268;26925,27049;37386,37496;41 342,41437;44320,44427;50000,50143;52227,52400;61520,61612;61761,61886;65664,6574 7;67401,68629
35736	320,67496	1,364;23213,23268;26925,27049;37386,37496;4134 2,41437;44320,44427;50000,50143;52227,52400;61520,61612;61761,61886;65664,65747; 67401,68631
35737	1007,5435	1,48;996,1419;4746,5032;5037,5436;7323,7763
35737	1007,5435	27,48;996,1419;4746,5436;7323,7763
35738	87,28667	1,207;10103,10222;22777,22868;24034,24178;25537 ,25749;28545,29954
35738	87,28667	1,207;10103,10222;22777,22868;24034,24178;25537 ,25749;28545,29958
35738	24148,70957	1,207;10103,10222;22777,22868;24034,24178;25 537,25749;56904,57052;69470,69595;70810,72598
35738	87,70957	1,207;10103,10222;22777,22868;24034,24178;25537 ,25749;56904,57052;69470,69595;70810,72598
35738	24148,70957	24079,24178;25537,25749;56904,57052;69470,69 595;70810,72598
35738	38149,70957	37767,38025;38103,38239;56904,57052;69470,69 595;70810,72598
35738	38149,70957	37767,38239;56904,57052;69470,69595;70810,72 598
35738	38201,70957	37767,38239;69470,69595;70810,71156
35738	38201,70957	37770,37894;38103,38239;69470,69595;70810,72 598
35738	40561,70957	40552,40617;69470,69595;70810,72598
35739	87,28667	1,207;10103,10222;22777,22868;24034,24178;25537 ,25749;28545,29954
35739	87,28667	1,207;10103,10222;22777,22868;24034,24178;25537 ,25749;28545,29958
35739	24148,70957	1,207;10103,10222;22777,22868;24034,24178;25 537,25749;56904,57052;69470,69595;70810,72598
35739	87,70957	1,207;10103,10222;22777,22868;24034,24178;25537 ,25749;56904,57052;69470,69595;70810,72598
35739	24148,70957	24079,24178;25537,25749;56904,57052;69470,69 595;70810,72598
35739	38149,70957	37767,38025;38103,38239;56904,57052;69470,69 595;70810,72598
35739	38149,70957	37767,38239;56904,57052;69470,69595;70810,72 598
35739	38201,70957	37767,38239;69470,69595;70810,71156
35739	38201,70957	37770,37894;38103,38239;69470,69595;70810,72 598
35739	40561,70957	40552,40617;69470,69595;70810,72598
35740	111,37440	1,177;25038,25146;32244,32341;33024,33098;3484 1,34939;35088,35177;35804,35887;37375,37873
35741	221,2637	1,471;1012,1084;1197,1344;1457,1559;1688,1944;2 051,2207;2321,2472;2602,3940

35741	221,2637	1,471;1012,1084;1197,1344;1457,1559;1688,1944;2 051,2207;2321,2472;2602,3942
35742	6671,18243	1,60;6658,6737;6831,6939;7465,7559;8399,8512; 8939,9029;10918,10997;11612,11668;13252,13345;14233,14328;15633,15691;17168,1729 0;18187,18527
35743	127,23764	1,154;488,554;5889,6086;10921,11099;12644,1282 3;12936,13049;14845,14928;16098,16278;17829,17987;23598,25585
35743	538,23764	1,154;488,554;5889,6086;10921,11099;12644,1282 3;12936,13049;14845,14928;16098,16278;17829,17987;23598,25585
35744	127,23764	1,154;488,554;5889,6086;10921,11099;12644,1282 3;12936,13049;14845,14928;16098,16278;17829,17987;23598,25585
35744	538,23764	1,154;488,554;5889,6086;10921,11099;12644,1282 3;12936,13049;14845,14928;16098,16278;17829,17987;23598,25585
35745	14845,30956	1,111;14837,15052;17022,17281;17492,17730;19 119,19320;21632,21776;21883,21986;23378,23716;27829,27984;28181,28300;28915,2906 5;29163,29284;30485,30524;30804,30969;31267,32087
35745	14845,30956	1484,1752;14837,15052;17022,17281;17492,1773 0;19119,19320;21632,21776;21883,21986;23378,23716;27829,27984;28181,28300;28915, 29065;29163,29284;30485,30524;30804,30969;31267,31457;31650,32065
35745	14845,30956	2,111;14837,15052;17022,17281;17492,17730;19 119,19320;21632,21776;21883,21986;23378,23716;27829,27984;28181,28300;28915,2906 5;29163,29284;30485,30524;30804,30969;31267,32087
35745	14845,30956	2,111;14837,15052;17022,17281;17492,17730;19 119,19320;21632,21776;21883,21986;23378,23716;27829,27984;28181,28300;28915,2906 5;29163,29284;30485,30524;30804,32087
35746	202,13537	1,217;3220,3303;6001,6104;7835,7885;9579,9660; 11235,11326;13531,17322
35746	46,13537	1,217;3220,3303;6001,6104;7835,7885;9579,9660;1 1235,11326;13531,17322
35747	202,13537	1,217;3220,3303;6001,6104;7835,7885;9579,9660; 11235,11326;13531,17322
35747	46,13537	1,217;3220,3303;6001,6104;7835,7885;9579,9660;1 1235,11326;13531,17322
35748	197,12257	1,284;11604,13067
35748	197,12257	7,284;11604,13067
35749	30623,37032	1,97;21818,21949;30624,30931;34441,34517;369 23,37879
35749	94,37032	1,97;30624,30931;34441,34517;36923,37879
35749	94,37032	26,97;30624,30931;34441,34517;36923,37885
35750	30623,37032	1,97;21818,21949;30624,30931;34441,34517;369 23,37879
35750	94,37032	1,97;30624,30931;34441,34517;36923,37879
35750	94,37032	26,97;30624,30931;34441,34517;36923,37885
35751	429,4440	1,129;321,482;1727,1902;2007,2094;2212,2358;247 3,2658;3750,3890;4278,4512
35751	429,4440	1,129;381,482;1727,1902;2007,2094;2212,2358;247 3,2658;3750,3890;4278,4512
35752	0,44602	1,309;20004,20132;24676,24833;29785,29911;33719, 33808;37933,38005;42572,42622;43421,43537;44484,45412
35752	177,44602	91,309;20004,20132;24676,24833;29785,29911;337

19,33808;37933,38005;43421,43537;44484,45412
 35753 76,69060 1,188;14869,14942;31756,31833;33846,34035;36260
 ,36425;37596,37640;37874,37982;39695,39790;41182,41274;41836,41961;44703,44767;4
 5600,45669;45853,45999;49257,49327;51263,51350;52373,52525;62300,62464;64861,649
 22;65684,65795;66964,67063;68217,68319;68931,69273
 35753 76,69060 41,188;14869,14942;31756,31833;33846,34035;3626
 0,36425;37596,37640;37874,37982;39695,39790;41182,41274;41836,41961;44703,44767;
 45600,45669;45853,45999;49257,49327;51263,51350;52373,52525;62300,62464;64861,64
 922;65684,65795;66964,67063;68217,68319;68931,69284
 35754 109,7210 1,181;2009,2170;2338,2519;2658,2713;2847,2974;3
 242,3320;3436,3569;6850,7014;7097,7802
 35755 24937,30954 1,457;24884,25007;25364,25406;25661,25802;26
 288,26448;29456,29584;29987,30116;30201,30354;30764,30978;31632,32162
 35755 9599,30954 9479,9717;25364,25406;25661,25802;26288,26448
 ;29456,29584;29987,30116;30201,30354;30764,30978;31632,32603
 35755 9599,30954 9479,9717;25364,25406;25661,25802;26288,26448
 ;29456,29584;29987,30116;30201,30354;30764,30978;31632,32618
 35756 101,35081 1,110;3700,3879;9210,9452;14242,14360;17210,17
 338;18405,18582;23100,23235;23914,24017;25645,25887;26914,27186;32799,32959;3407
 0,34206;34930,36835
 35756 5,35081 1,110;3700,3879;9210,9452;14242,14360;17210,1733
 8;18405,18582;23100,23235;23914,24017;25645,25887;26914,27186;32799,32959;34070,
 34206;34930,36835
 35756 101,27219 1,110;3700,3879;9210,9452;14242,14360;17210,17
 338;18405,18582;23100,23235;23914,24017;25645,25887;26914,27350
 35757 3391,7756 1,68;3366,3575;6539,6700;7584,8330
 35757 3391,7756 1,68;3366,3575;7584,8330
 35758 8760,36625 1,77;6728,6824;8761,8847;8981,9054;11294,1142
 3;16005,16115;17126,17180;18476,18586;21209,21319;21863,21973;22933,23042;24405,
 24458;26795,26864;30514,30662;32654,32743;34564,34741;35110,35181;36489,38037
 35758 8760,36625 1,77;6728,6824;8761,8847;8981,9054;11294,1142
 3;16005,16115;17126,17180;18476,18586;21209,21319;21863,21973;22933,23043;24403,
 24458;26795,26864;30514,30662;32654,32743;34564,34741;35110,35181;36489,38037
 35758 8760,36625 1,77;6728,6824;8761,8847;8981,9054;11294,1142
 3;16005,16115;17126,17180;18476,18586;21209,21319;21863,21973;24403,24458;26795,
 26864;30514,30662;32654,32743;34564,34741;35110,35181;36489,38046
 35759 81,29067 1,141;14112,14215;15595,15667;16966,17048;20945
 ,21148;22119,22253;28860,31189
 35759 81,29067 1,141;14112,14215;15595,15667;16966,17048;20945
 ,21148;22119,22253;28860,31193
 35759 81,29067 1,141;14112,14215;28860,31189
 35760 81,29067 1,141;14112,14215;15595,15667;16966,17048;20945
 ,21148;22119,22253;28860,31189
 35760 81,29067 1,141;14112,14215;15595,15667;16966,17048;20945
 ,21148;22119,22253;28860,31193
 35760 81,29067 1,141;14112,14215;28860,31189
 35761 23,2260 1,152;757,953;1048,1174;1261,1418;1508,1668;1958
 ,2058;2156,2448
 35761 23,2260 20,152;757,953;1048,1174;1261,1418;1508,1668;195
 8,2058;2156,2448

35762 289,26252 1,442;3719,3945;4826,4974;6109,6237;6414,6587;
9353,9526;10461,10634;12611,12766;13968,14103;17736,17872;19099,19258;23589,2369
8;26149,27049

35763 120,193709 1,314;8981,9100;35924,36009;43807,43888;45791
,45883;52823,52892;61182,61251;67427,67502;71109,71234;75387,75508;80515,80639;8
8617,88676;92493,92530;95747,95868;101409,101480;103606,103719;105135,105252;105
258,105269;105274,105288;106329,106442;111200,111259;119325,119583;120462,120623
;143137,143192;145781,145895;146573,146727;159576,159710;171590,171851;191080,19
1256;193611,196020

35763 120,193709 1,314;8981,9100;35924,36009;43807,43888;45791
,45883;52823,52892;61182,61251;67427,67502;71109,71234;75387,75508;80515,80639;8
8617,88676;92493,92530;95747,95868;101409,101480;103606,103720;105150,105288;106
329,106442;111200,111259;119325,119583;120462,120623;143137,143192;145781,145895
;146573,146727;159576,159710;171590,171851;191080,191256;193611,196020

35763 120,193709 73,314;8981,9100;35924,36009;43807,43888;4579
1,45883;52823,52892;61182,61251;67427,67502;71109,71234;75387,75508;80515,80639;
88617,88676;92493,92530;95747,95868;101409,101480;103606,103719;105135,105288;10
6329,106442;111200,111259;119325,119583;120462,120623;143137,143192;145781,14589
5;146573,146727;159576,159710;171590,171851;191080,191256;193611,194670

35764 120,193709 1,314;8981,9100;35924,36009;43807,43888;45791
,45883;52823,52892;61182,61251;67427,67502;71109,71234;75387,75508;80515,80639;8
8617,88676;92493,92530;95747,95868;101409,101480;103606,103719;105135,105252;105
258,105269;105274,105288;106329,106442;111200,111259;119325,119583;120462,120623
;143137,143192;145781,145895;146573,146727;159576,159710;171590,171851;191080,19
1256;193611,196020

35764 120,193709 1,314;8981,9100;35924,36009;43807,43888;45791
,45883;52823,52892;61182,61251;67427,67502;71109,71234;75387,75508;80515,80639;8
8617,88676;92493,92530;95747,95868;101409,101480;103606,103720;105150,105288;106
329,106442;111200,111259;119325,119583;120462,120623;143137,143192;145781,145895
;146573,146727;159576,159710;171590,171851;191080,191256;193611,196020

35764 120,193709 73,314;8981,9100;35924,36009;43807,43888;4579
1,45883;52823,52892;61182,61251;67427,67502;71109,71234;75387,75508;80515,80639;
88617,88676;92493,92530;95747,95868;101409,101480;103606,103719;105135,105288;10
6329,106442;111200,111259;119325,119583;120462,120623;143137,143192;145781,14589
5;146573,146727;159576,159710;171590,171851;191080,191256;193611,194670

35765 114,13978 1,116;8546,8666;13715,14976

35765 114,13978 38,116;8546,8666;13715,14110

35765 6552,13978 6358,6554;8546,8666;13715,14976

35765 6552,13978 6458,6554;8546,8666;13715,14971

35766 27,3347 1,126;2228,2465;2921,3060;3150,4339

35766 27,3347 19,126;2228,2465;2921,3060;3150,4339

35767 482,23839 1,640;12986,13083;15567,15663;19302,19454;2037
7,20523;21534,21572;22106,22219;23281,23309;23829,23931

35767 482,30216 1,640;12986,13083;15567,15663;19302,19454;2037
7,20523;21534,21572;22106,22219;28634,28892;29367,29470;30135,32361

35767 482,23317 482,640;12986,13083;15567,15663;19302,19454;20
377,20523;21534,21572;22106,22219;23281,23316

35768 11836,30375 11036,11868;13628,13873;14147,14225;14407,14
441;15111,15131;17533,17550;18925,18945;20145,20336;20697,20894;21048,21252;2132
9,21407;21528,21687;21804,21908;22382,22573;22659,22775;22993,23145;23742,23902;

24009, 24177; 24453, 24521; 24766, 24828; 24941, 25090; 25253, 25414; 25498, 25629; 25855, 25980; 26216, 26358; 26632, 26798; 28245, 28259; 28446, 28579; 28696, 28879; 29144, 29223; 29732, 29821; 30237, 30718

35768 11836, 30375 11741, 11868; 13628, 13873; 14147, 14225; 14407, 14441; 15111, 15131; 17533, 17550; 18925, 18945; 20145, 20336; 20697, 20894; 21048, 21252; 21329, 21407; 21528, 21687; 21804, 21908; 22382, 22573; 22659, 22775; 22993, 23145; 23742, 23902; 24009, 24177; 24453, 24521; 24766, 24828; 24941, 25090; 25253, 25414; 25498, 25629; 25855, 25980; 26216, 26358; 26632, 26798; 28245, 28259; 28446, 28579; 28696, 28879; 29144, 29223; 29732, 29821; 30237, 30714

35768 17521, 30375 17521, 17550; 18925, 18945; 20145, 20336; 20697, 20894; 21048, 21252; 21329, 21407; 21528, 21687; 21804, 21908; 22382, 22573; 22659, 22775; 22993, 23145; 23742, 23902; 24009, 24177; 24453, 24521; 24766, 24828; 24941, 25090; 25253, 25414; 25498, 25629; 25855, 25980; 26216, 26358; 26632, 26798; 28245, 28259; 28446, 28579; 28696, 28879; 29144, 29223; 29732, 29821; 30237, 30718

35768 2, 30375 1, 79; 13628, 13873; 14147, 14225; 14407, 14441; 20145, 20336; 20697, 20894; 21048, 21252; 21329, 21407; 21528, 21687; 21804, 21908; 22382, 22573; 22659, 22775; 22993, 23145; 23742, 23902; 24009, 24177; 24453, 24521; 24766, 24828; 24941, 25090; 25253, 25414; 25498, 25629; 25855, 25980; 26216, 26358; 26632, 26798; 28446, 28579; 28696, 28879; 29144, 29223; 29732, 29821; 30237, 30717

35768 76850, 170407 24460, 24521; 24766, 24828; 24941, 25090; 25253, 25414; 25498, 25629; 25855, 25980; 26216, 26358; 26632, 26798; 28496, 28579; 28696, 28879; 29144, 29223; 29732, 29821; 30237, 30460; 30717, 30869; 49336, 49415; 52970, 53018; 57696, 57846; 63687, 63753; 76848, 76928; 87193, 87384; 105971, 106100; 126609, 126769; 127574, 127726; 129641, 129736; 132230, 132285; 135941, 136098; 137167, 137254; 138745, 138899; 139485, 139694; 141356, 141530; 143387, 143520; 144566, 144837; 149821, 149879; 152338, 152538; 156659, 156772; 158310, 158471; 159226, 159404; 160565, 160637; 163995, 164063; 164309, 164356; 164743, 164916; 166878, 167033; 168921, 169005; 170372, 170439; 175657, 175790; 177398, 177471; 180046, 180263

35768 13646, 30369 48, 79; 13628, 13873; 14147, 14225; 20158, 20336; 20697, 20894; 21048, 21252; 21329, 21407; 21528, 21687; 21804, 21908; 22382, 22573; 22659, 22775; 22993, 23145; 23742, 23902; 24009, 24177; 24453, 24521; 24766, 24828; 24941, 25090; 25253, 25414; 25498, 25629; 25855, 25980; 26216, 26358; 26632, 26798; 28446, 28579; 28696, 28879; 29144, 29223; 29732, 29821; 30237, 30716

35769 1674, 3439 1, 1896; 2006, 2154; 2458, 3610

35769 96, 3439 1, 98; 1674, 1896; 2006, 2154; 2458, 3610

35769 96, 3439 29, 98; 1674, 1896; 2006, 2154; 2458, 3611

35770 1520, 10730 1, 83; 1493, 1544; 4890, 5032; 6915, 7077; 10184, 10278; 10604, 11876

35770 1520, 10730 226, 348; 1493, 1544; 4890, 5032; 6915, 7077; 10184, 10278; 10604, 11878

35771 70, 38135 1, 133; 5197, 5283; 6075, 6236; 7134, 7196; 12637, 12715; 15192, 15360; 16859, 17054; 18143, 18314; 22073, 22191; 32707, 32818; 33053, 33183; 36108, 36221; 38049, 38391

35771 70, 38135 42, 133; 5197, 5283; 6075, 6236; 7134, 7277; 7598, 7762; 9900, 10048; 12591, 12715; 15192, 15360; 16859, 17054; 18143, 18314; 22073, 22191; 32707, 32818; 33053, 33183; 36108, 36221; 38049, 38391

35771 70, 38135 47, 133; 5197, 5283; 6075, 6236; 7134, 7277; 7598, 7762; 9900, 10048; 12591, 12715; 15192, 15360; 16859, 17054; 18143, 18314; 22073, 22191; 32707, 32818; 33053, 33183; 36108, 36221; 38049, 38392

35772 165, 80178 1, 219; 12962, 13058; 77662, 77704; 80064, 82002

35772	13034,80527	13033,13058;77662,77704;80064,80526
35772	165,80178	6,219;12962,13058;77662,77704;80064,81939
35773	248,25177	1,314;12924,13004;13381,13490;20001,20072;2171
5,21840;25090,26021		
35773	248,25177	37,314;12924,13004;13381,13490;20001,20072;217
15,21840;25090,26025		
35774	77,31765	1,79;6192,6329;10161,10247;10454,10580;11438,11
586;14013,14159;15039,15138;15819,15961;16215,16414;17794,17904;20083,20171;2026		
0,20366;21339,21482;22482,22612;22852,23059;27110,27220;28332,28546;30265,30357;		
30449,30629;30815,30883;31356,31427;31669,32034		
35774	77,31765	8,79;6192,6329;10161,10247;10454,10580;11438,11
586;14013,14159;15039,15138;15819,15961;16215,16414;17794,17904;20083,20171;2026		
0,20366;21339,21482;22482,22612;22852,23059;27110,27220;28332,28546;30265,30357;		
30449,30629;30815,30883;31356,31427;31669,32034		
35775	97,4144	1,106;1381,1460;2878,3049;3998,4178
35775	97,4144	31,106;1381,1460;2878,3049;3998,4195
35776	1439,2606	1,161;1219,1314;1399,1544;1692,1843;2276,2300;
2434,2493;2574,2813		
35776	77,2606	1,161;1220,1314;1400,1544;1692,1843;2276,2300;24
34,2493;2574,2813		
35777	1,14296	1,155;756,851;1120,1679;2544,2619;2915,3114;3227
,3349;4397,4490;6274,6447;6969,7145;7453,7626;7886,8013;8129,8281;8732,8950;9443		
,9550;10118,10277;10432,10550;11495,11729;11927,12154;12324,12595;13026,13123;13		
228,13367;14289,16391		
35777	784,14296	6,155;756,851;1120,1679;2544,2619;2915,3114;32
27,3349;4397,4490;6274,6447;6969,7145;7453,7626;7886,8013;8129,8281;8732,8950;94		
43,9550;10118,10277;10432,10550;11495,11729;11927,12154;12324,12595;13026,13123;		
13228,13367;14289,16393		
35778	116,6563	1,211;2475,2601;3514,3638;4222,4344;5129,5248;5
993,6055;6470,6684		
35778	116,4290	1,211;2475,2601;3514,3723;4222,4344;5129,5248;5
993,6055;6470,6684		
35779	1479,8748	1,21;1423,1698;5468,5589;5790,5913;6285,6399;6
517,6715;7022,7102;7260,7417;7639,7766;8136,8237;8587,8844		
35779	1479,8748	1418,1698;5468,5589;5790,5913;6285,6399;6517,6
715;7022,7102;7260,7417;7639,7766;8136,8237;8587,8844		
35780	0,767152	1,402;1375,1478;7138,7292;7394,7562;8755,8882;1
0629,10707;12164,12378;13943,14051;14521,14724;767125,767152		
35780	684515,686155	684442,684629;686060,686377
35781	76,6967	13,404;4022,4177;6864,8178
35781	76,6967	1,404;4022,4177;6864,8178
35782	76,6967	13,404;4022,4177;6864,8178
35782	76,6967	1,404;4022,4177;6864,8178
35783	5147,51211	1,140;5124,5305;6478,6600;8736,8798;9320,9510
;9952,10031;11448,11578;12374,12492;13362,13498;14230,14291;17207,17324;20235,20		
389;21181,21271;22371,22400;25846,25987;26573,26741;31317,31421;32712,32908;3474		
6,34827;35788,35898;40096,40223;40824,40917;45055,45209;46838,46988;47188,47331;		
49433,49546;49895,49977;50235,50311;51116,52089		
35783	5147,51211	1,140;5124,5305;6478,6600;8736,8798;9320,9510
;9952,10031;11448,11578;12374,12492;13362,13498;14230,14291;17207,17324;20235,20		

389;21181,21271;22371,22400;25846,25987;26573,26741;31317,31421;32712,32908;34746,34827;35788,35898;40096,40223;40824,40917;45055,45209;46838,46988;47188,47331;49433,49546;49895,49977;50235,50311;51116,52092

35783 5147,51211 1,140;5124,5305;6478,6600;8736,8798;9320,9510
;9952,10031;11448,11578;12374,12492;13362,13498;14230,14291;17207,17324;20235,20389;21181,21271;25846,25987;26573,26741;31317,31421;32712,32908;34746,34827;35788,35898;40096,40223;40824,40917;45055,45209;46838,46988;47188,47331;49433,49546;49895,49977;50235,50311;51116,52089

35783 5147,51211 1,140;5124,5305;6478,6600;8736,8798;9320,9510
;9952,10031;11448,11578;12374,12492;13362,13498;14230,14291;17207,17324;20235,20389;21181,21271;25846,25987;26573,26741;31317,31421;32712,32908;34746,34827;35788,35898;40096,40223;40824,40917;45055,45209;46838,46988;47188,47331;49433,49546;49895,49977;50235,50311;51116,52092

35784 5147,51211 1,140;5124,5305;6478,6600;8736,8798;9320,9510
;9952,10031;11448,11578;12374,12492;13362,13498;14230,14291;17207,17324;20235,20389;21181,21271;22371,22400;25846,25987;26573,26741;31317,31421;32712,32908;34746,34827;35788,35898;40096,40223;40824,40917;45055,45209;46838,46988;47188,47331;49433,49546;49895,49977;50235,50311;51116,52089

35784 5147,51211 1,140;5124,5305;6478,6600;8736,8798;9320,9510
;9952,10031;11448,11578;12374,12492;13362,13498;14230,14291;17207,17324;20235,20389;21181,21271;22371,22400;25846,25987;26573,26741;31317,31421;32712,32908;34746,34827;35788,35898;40096,40223;40824,40917;45055,45209;46838,46988;47188,47331;49433,49546;49895,49977;50235,50311;51116,52092

35784 5147,51211 1,140;5124,5305;6478,6600;8736,8798;9320,9510
;9952,10031;11448,11578;12374,12492;13362,13498;14230,14291;17207,17324;20235,20389;21181,21271;25846,25987;26573,26741;31317,31421;32712,32908;34746,34827;35788,35898;40096,40223;40824,40917;45055,45209;46838,46988;47188,47331;49433,49546;49895,49977;50235,50311;51116,52089

35784 5147,51211 1,140;5124,5305;6478,6600;8736,8798;9320,9510
;9952,10031;11448,11578;12374,12492;13362,13498;14230,14291;17207,17324;20235,20389;21181,21271;25846,25987;26573,26741;31317,31421;32712,32908;34746,34827;35788,35898;40096,40223;40824,40917;45055,45209;46838,46988;47188,47331;49433,49546;49895,49977;50235,50311;51116,52092

35785 124,96208 1,172;1006,1120;64379,64602;71133,71276;71402,71557;72906,73050;74393,74568;74844,74972;76022,76204;78224,78468;81989,82134;84710,84934;86108,86335;90883,91013;92363,92506;95999,98248

35785 124,96208 1,172;1006,1120;64379,64602;71133,71276;71402,71557;72906,73050;74393,74568;74844,74972;76022,76204;78224,78468;81989,82134;84710,84934;86108,86335;90883,91013;92363,92506;95999,98250

35785 124,96208 61,172;1006,1120;64379,64602;71133,71276;71402,71557;72906,73050;74393,74568;74844,74972;78224,78468;81989,82134;84710,84934;86108,86335;90883,91013;92363,92506;95999,96245

35786 72,10538 1,159;2648,2845;3374,3501;4383,4482;6412,6516;7310,7429;8680,8747;10472,10919

35787 75,2771 1,171;1204,1356;1463,1558;2410,2500;2749,3158

35787 75,2771 1,171;1204,1356;1463,1558;2410,2500;2749,3165

35788 4400,23073 1,89;4400,4641;14101,14180;16072,16223;20292,20398;21226,21323;22080,22223;22948,24081;24154,25072

35788 4400,23073 1,89;4400,4641;14101,14180;16072,16223;20292,20398;21226,21323;22080,22223;22948,24082;24155,25072

35789	4400, 23073	1, 89; 4400, 4641; 14101, 14180; 16072, 16223; 20292, 20398; 21226, 21323; 22080, 22223; 22948, 24081; 24154, 25072
35789	4400, 23073	1, 89; 4400, 4641; 14101, 14180; 16072, 16223; 20292, 20398; 21226, 21323; 22080, 22223; 22948, 24082; 24155, 25072
35790	158427, 161914	1, 125; 53999, 54100; 58169, 58305; 69325, 69459; 158427, 158693; 159359, 159448; 160115, 160306; 160690, 162387
35790	158427, 161914	128009, 128166; 158427, 158693; 159359, 159448; 160115, 160306; 160690, 162387
35790	128122, 161914	128009, 128166; 158427, 158693; 159359, 159448; 160115, 160306; 160690, 162390
35791	1186, 58563	1, 1307; 48638, 48720; 56435, 56546; 57203, 57324; 58366, 62226
35791	1186, 58563	7, 1307; 48638, 48720; 56435, 56546; 57203, 57324; 58366, 62226
35792	1186, 58563	1, 1307; 48638, 48720; 56435, 56546; 57203, 57324; 58366, 62226
35792	1186, 58563	7, 1307; 48638, 48720; 56435, 56546; 57203, 57324; 58366, 62226
35793	1186, 58563	1, 1307; 48638, 48720; 56435, 56546; 57203, 57324; 58366, 62226
35793	1186, 58563	7, 1307; 48638, 48720; 56435, 56546; 57203, 57324; 58366, 62226
35794	1186, 58563	1, 1307; 48638, 48720; 56435, 56546; 57203, 57324; 58366, 62226
35794	1186, 58563	7, 1307; 48638, 48720; 56435, 56546; 57203, 57324; 58366, 62226
35795	32154, 191288	1, 1053; 31366, 32328; 146902, 147072; 164678, 164881; 177243, 177500; 179581, 179734; 187503, 187538; 188228, 188322; 191232, 191306; 194346, 197740
35795	32154, 191288	1, 1053; 31366, 32328; 146902, 147072; 164678, 164881; 177243, 177500; 179581, 179734; 188228, 188322; 191232, 191306; 194346, 197740
35795	32154, 191288	31366, 32328; 146902, 147072; 164678, 164881; 177243, 177500; 179581, 179734; 188228, 188322; 191232, 191306; 194346, 197740
35795	32154, 191263	31366, 32328; 146902, 147072; 164678, 164881; 177243, 177500; 179581, 179734; 187503, 187538; 191232, 191306; 194346, 197740
35795	32154, 191288	31366, 32328; 146902, 147072; 164678, 164881; 177243, 177500; 179581, 179734; 188228, 188322; 191232, 191306; 194346, 197740
35795	32154, 191288	31366, 32328; 146902, 147072; 177243, 177500; 179581, 179734; 187503, 187538; 188228, 188322; 191232, 191306; 194346, 197740
35795	32154, 191288	31366, 32328; 146902, 147072; 177243, 177500; 179581, 179734; 188228, 188322; 191232, 191306; 194346, 197740
35796	32154, 191288	1, 1053; 31366, 32328; 146902, 147072; 164678, 164881; 177243, 177500; 179581, 179734; 187503, 187538; 188228, 188322; 191232, 191306; 194346, 197740
35796	32154, 191288	1, 1053; 31366, 32328; 146902, 147072; 164678, 164881; 177243, 177500; 179581, 179734; 188228, 188322; 191232, 191306; 194346, 197740
35796	32154, 191288	31366, 32328; 146902, 147072; 164678, 164881; 177243, 177500; 179581, 179734; 188228, 188322; 191232, 191306; 194346, 197740
35796	32154, 191263	31366, 32328; 146902, 147072; 164678, 164881; 177243, 177500; 179581, 179734; 187503, 187538; 191232, 191306; 194346, 197740

35796 32154, 191288 31366, 32328; 146902, 147072; 164678, 164881; 177
243, 177500; 188228, 188322; 190091, 190154; 191232, 191306; 194346, 197740
35796 32154, 191288 31366, 32328; 146902, 147072; 177243, 177500; 179
581, 179734; 187503, 187538; 188228, 188322; 191232, 191306; 194346, 197740
35796 32154, 191288 31366, 32328; 146902, 147072; 177243, 177500; 179
581, 179734; 188228, 188322; 191232, 191306; 194346, 197740
35797 32154, 191288 1, 1053; 31366, 32328; 146902, 147072; 164678, 164
881; 177243, 177500; 179581, 179734; 187503, 187538; 188228, 188322; 191232, 191306; 194346
, 197740
35797 32154, 191288 1, 1053; 31366, 32328; 146902, 147072; 164678, 164
881; 177243, 177500; 179581, 179734; 188228, 188322; 191232, 191306; 194346, 197740
35797 32154, 191288 31366, 32328; 146902, 147072; 164678, 164881; 177
243, 177500; 178665, 178718; 179581, 179734; 188228, 188322; 191232, 191306; 194346, 197740
35797 32154, 191263 31366, 32328; 146902, 147072; 164678, 164881; 177
243, 177500; 179581, 179734; 187503, 187538; 191232, 191306; 194346, 197740
35797 32154, 191288 31366, 32328; 146902, 147072; 164678, 164881; 177
243, 177500; 188228, 188322; 190091, 190154; 191232, 191306; 194346, 197740
35797 32154, 191288 31366, 32328; 146902, 147072; 177243, 177500; 179
581, 179734; 187503, 187538; 188228, 188322; 191232, 191306; 194346, 197740
35797 32154, 191288 31366, 32328; 146902, 147072; 177243, 177500; 179
581, 179734; 188228, 188322; 191232, 191306; 194346, 197740
35798 8857, 31254 1, 173; 1659, 1803; 8854, 9032; 12244, 12379; 15845, 1
6007; 16986, 17110; 18459, 18567; 18677, 18784; 21090, 21243; 21458, 21525; 21671, 21792; 236
81, 23807; 24198, 24302; 24514, 24616; 25400, 25620; 26227, 26382; 26742, 26938; 29281, 29415
; 31185, 33199
35798 8857, 31254 1, 173; 1659, 1803; 8854, 9032; 12244, 12379; 15845, 1
6007; 16986, 17110; 18459, 18567; 18677, 18784; 21090, 21243; 21458, 21525; 21671, 21792; 236
81, 23807; 24198, 24302; 24514, 24616; 25400, 25629; 26233, 26382; 26742, 26938; 29281, 29415
; 31185, 33197
35799 197, 22021 1, 458; 4165, 4228; 5187, 5220; 7525, 7614; 9975, 10097
; 19160, 19257; 21174, 21348; 21955, 22054; 23654, 24213
35799 197, 22021 3, 458; 4165, 4228; 5187, 5220; 7525, 7614; 9975, 10097
; 13194, 13400; 19160, 19257; 21174, 21348; 21955, 22054; 23654, 24218
35800 6133, 132489 1, 83; 6122, 6495; 36835, 36903; 58597, 58705; 59668
, 59846; 70479, 70645; 73039, 73309; 84294, 84387; 85536, 85637; 90897, 91048; 97207, 97345; 9
8389, 98532; 99421, 99717; 100789, 101025; 111718, 111985; 113336, 113465; 115438, 115566; 1
20216, 120353; 123576, 123701; 124427, 124548; 128864, 129056; 132357, 134193
35800 6133, 132489 4, 83; 6122, 6495; 36835, 36903; 58597, 58705; 59668
, 59846; 70479, 70645; 73039, 73309; 84294, 84387; 85536, 85637; 90897, 91048; 97207, 97345; 9
8389, 98532; 99421, 99717; 100789, 101025; 111718, 111985; 113336, 113465; 115438, 115566; 1
20216, 120353; 123576, 123701; 124427, 124548; 128864, 129056; 132357, 134193
35801 1433, 2488 1, 65; 1406, 1622; 1738, 1821; 1957, 2033; 2127, 2190; 2
288, 3641
35802 70, 40859 1, 208; 2214, 2297; 3499, 3569; 4986, 5050; 6506, 6606; 1
0283, 10404; 15482, 15549; 16638, 16759; 21903, 22002; 23619, 23785; 25898, 25991; 26082, 261
94; 30407, 30562; 32108, 32204; 35664, 35769; 38516, 38652; 40678, 41530
35803 42, 43555 1, 160; 25059, 25101; 25218, 25359; 30526, 30683; 33759
, 33887; 37538, 37667; 38051, 38204; 43365, 43577; 43667, 45675
35804 48, 52755 1, 520; 27298, 27397; 27818, 28022; 45087, 45281; 45766
, 45798; 47052, 47166; 48492, 48549; 50366, 50461; 52587, 53303

35804 48,52755 49,520;27298,27397;27818,28022;45087,45281;4576
6,45798;47052,47166;48492,48549;50366,50461;52587,53303

35805 232,41192 1,251;4233,4263;9643,9788;14405,14496;21011,21
021;21152,21226;23840,23923;27274,27351;27500,27610;28571,28693;41147,41213;4225
4,44799

35805 232,41192 1,251;4233,4263;9643,9788;14405,14496;21023,21
030;21152,21226;23840,23923;27274,27351;27500,27610;28571,28693;41147,41213;4225
4,44801

35806 3532,18005 1,144;1124,1197;3516,3653;6423,6714;9659,9764
;11479,11656;12938,13089;15080,15220;15850,16012;17914,18853

35807 131,113818 1,147;4373,4416;5354,5427;5612,5781;10012,102
17;13131,13274;15295,15521;18617,18677;20140,20268;21765,21853;22642,22720;23247
,23420;25989,26100;26673,26869;28125,28220;30223,30287;81842,81956;89346,89462;9
6670,96772;104446,104615;106741,106833;108306,108392;108977,109123;113672,113827
;115641,115865

35808 79,11523 1,432;5699,5818;7535,7719;11519,12804

35808 79,11523 53,432;5699,5818;7535,7719;11519,12800

35809 110,2178 1,175;1620,1721;2049,2428

35810 855,14322 1,900;4011,4068;5639,5686;8087,8219;9098,9256;
9340,9439;9819,9954;10340,10425;10633,10731;10842,11002;11783,11927;12007,12151;
12832,13013;13108,13225;13462,13615;13915,14054;14243,14518;24436,24593;30877,31
074

35810 855,14322 1,900;4011,4068;5639,5686;8087,8219;9098,9256;
9340,9439;9819,9954;10340,10425;10633,10731;10842,11002;11783,11927;12007,12151;
12832,13013;13108,13225;13462,13615;13915,14054;14243,16786

35810 855,14322 1,900;4011,4068;5639,5686;8087,8219;9098,9256;
9340,9439;9819,9954;10340,10425;10633,10731;10842,11002;11783,11927;12007,12151;
12832,13013;13108,13225;13462,13615;13915,14054;14243,16791

35811 49079,88398 1,104;49072,49152;61075,61238;68027,68156;68
664,68796;72829,72910;73710,73875;75665,75807;79237,79332;82142,82337;83858,8393
6;84909,85023;85239,85372;86387,86510;86730,86854;88266,89502

35811 49079,88398 26,104;49072,49152;61075,61238;68027,68156;6
8664,68796;72829,72910;73710,73875;75665,75807;79237,79332;82142,82337;83858,839
36;84909,85023;85239,85372;86387,86510;86730,86854;88266,89507

35811 49088,88398 32437,32461;49072,49152;61075,61238;68027,68
156;68664,68796;72829,72910;73710,73875;75665,75807;79237,79332;82142,82337;8385
8,83936;84909,85023;85239,85372;86387,86510;86730,86854;88266,89504

35812 121973,171510 1,200;49934,50037;121872,122030;157535,157
689;157923,158067;162857,163063;166344,166558;167042,167172;167698,167825;168215
,168332;171329,171801

35812 133268,171510 133137,134945;157535,157689;157923,158067;
162857,163063;166344,166558;167042,167172;167698,167825;168215,168332;171329,172
195

35812 133268,171510 133143,134945;157535,157689;157923,158067;
162857,163063;166344,166558;167042,167172;167698,167825;168215,168332;171329,172
195

35812 121973,171510 514,708;49934,50037;121872,122030;157535,1
57689;157923,158067;162857,163063;166344,166558;167042,167172;167698,167825;1682
15,168332;171329,172692

35812 121973,171510 572,708;49934,50037;121872,122030;157535,1

57689;157923,158067;162857,163063;166344,166558;167042,167172;167698,167825;168215,168332;171329,172195

35813 121973,171510 1,200;49934,50037;121872,122030;157535,157689;157923,158067;162857,163063;166344,166558;167042,167172;167698,167825;168215,168332;171329,171801

35813 133268,171510 133137,134945;157535,157689;157923,158067;162857,163063;166344,166558;167042,167172;167698,167825;168215,168332;171329,172195

35813 133268,171510 133143,134945;157535,157689;157923,158067;162857,163063;166344,166558;167042,167172;167698,167825;168215,168332;171329,172195

35813 121973,171510 514,708;49934,50037;121872,122030;157535,157689;157923,158067;162857,163063;166344,166558;167042,167172;167698,167825;168215,168332;171329,172692

35813 121973,171510 572,708;49934,50037;121872,122030;157535,157689;157923,158067;162857,163063;166344,166558;167042,167172;167698,167825;168215,168332;171329,172195

35814 964,22993 1,186;955,1111;4841,4903;5016,5070;12977,13041;13192,13254;15940,16021;19184,19285;22175,22262;22345,23153

35814 18996,22993 16961,19285;22175,22262;22345,23152

35814 964,22993 26,186;955,1111;4841,4903;5016,5070;12977,13041;13192,13254;15940,16021;19184,19285;22175,22262;22345,23153

35815 490,6831 1,41;399,579;4265,4430;4613,4708;4913,5009;5104,5187;5291,5376;5519,5628;5732,5859;5944,6065;6156,6255;6368,6498;6682,7086

35816 13,27771 1,127;15762,15845;16491,16683;16812,16819;20339,20427;27585,28462

35816 16601,27771 16,127;15762,15845;16491,16651;20293,20427;27585,28462

35817 295,26916 1,352;4533,4613;7750,7940;12497,12620;14153,14274;14795,14912;15210,15274;15357,15435;16465,16611;17774,17872;18903,19069;20110,20272;20366,20503;20875,20952;21114,21214;21307,21411;22961,23033;26079,26193;26768,27299

35818 43,19713 1,168;6345,6407;8320,8420;12279,12431;13762,13815;14539,14620;15968,16123;18942,19010;19444,19518;19665,19877

35818 43,19713 1,168;6345,6407;8320,8420;12279,12431;13762,13815;14539,14620;18942,19010;19444,19518;19665,19877

35818 43,19713 1,168;6345,6407;8320,8420;13762,13815;14539,14620;15968,16123;18942,19010;19444,19518;19665,19877

35818 9921,11266 9921,10598;11182,11265

35819 24377,61473 1,161;1983,2092;24342,24464;26297,26369;28829,28948;31965,32107;32522,32637;34143,34368;38389,38481;39399,39475;40567,40723;44586,44693;47289,47384;52191,52325;61405,63335

35819 24377,61473 1,161;24342,24464;26297,26369;28829,28948;31965,32107;32522,32637;34143,34368;38389,38481;39399,39475;40567,40723;44586,44693;47289,47384;52191,52325;61405,63335

35819 24377,61473 1,398;1983,2092;24342,24464;26297,26369;28829,28948;31965,32107;32522,32637;34143,34368;38389,38481;39399,39475;40567,40723;44586,44693;47289,47384;52191,52325;61405,63335

35819 24377,61473 1,398;24342,24464;26297,26369;28829,28948;31965,32107;32522,32637;34143,34368;38389,38481;39399,39475;40567,40723;44586,44693

3;47289,47384;52191,52325;61405,63335
 35819 16986,17988 1,679,118,254
 35819 16986,17988 1,682,318,254
 35819 24377,61467 24378,24476;26297,26369;28829,28948;31965,32
 107;32522,32637;34143,34368;38389,38481;39399,39475;40567,40723;44586,44693;4728
 9,47384;52191,52325;61405,63329
 35820 380,5154 1,47;377,506;1792,1893;3487,3599;5037,5293
 35821 5595,104747 1,239;5364,5680;62945,63077;86065,86208;9816
 3,98351;104527,104628;104633,104746
 35821 5595,104638 1,239;5364,5680;62945,63077;86065,86208;9816
 3,98351;104527,107057
 35821 5595,104638 68,239;5364,5680;62945,63077;86065,86208;981
 63,98351;104527,108364
 35821 69,104638 68,239;5364,5680;62945,63077;86065,86208;98163
 ,98351;104527,108364
 35822 75,16410 1,140;7384,7551;8235,8351;9340,9417;10018,10140
 ;10644,10750;11076,11157;11756,11839;13817,13899;16367,16782
 35823 0,450997 1,131;2406,2650;7911,8186;8280,8329;8405,8576;1
 3611,13832;20452,20601;22630,22840;26741,26843;29754,29981;36637,36834;39186,393
 85;43332,43359;43364,43528;50328,50436;51760,51822;450945,450997
 35823 439889,448918 439778,439961;445249,445317;448811,448918
 35823 439889,451308 439783,439961;445249,445317;451189,452414
 35823 439889,451308 439786,439961;445249,445317;451189,452408
 35824 400,9341 1,412;488,620;1182,1308;1693,1786;1890,1965;205
 5,2218;2377,2514;2608,2699;2776,2816;2902,3023;3572,3632;4851,4948;5592,5643;654
 0,6628;7100,7238;7721,7804;7886,7966;8347,8435;8545,8735;8842,8944;9039,9145;923
 6,9499
 35825 215,2273 1,278;596,809;1159,1515;1647,1855;1971,2934
 35825 745,2273 8,278;596,809;1159,1515;1647,1855;1971,2114;211
 7,2182;2187,2934
 35825 215,2273 8,278;596,809;1159,1515;1647,1855;1971,2937
 35826 72,4770 1,141;2595,2625;2740,2828;3050,3222;4635,5852
 35826 2819,4770 13,141;2096,2162;2595,2625;2740,2828;3050,3222
 ;4635,5852
 35826 2819,4770 14,141;2096,2252;2595,2625;2740,2828;3050,3222
 ;4635,5852
 35826 72,4770 28,141;2595,2625;2740,2828;3050,3222;4635,6464
 35827 12798,13560 1,86;12789,15165
 35827 12798,13560 1,90;12789,15165
 35828 39432,83382 1,42;39387,39441;45921,46008;62400,62494;642
 52,64365;65773,65863;68461,68540;70520,70576;73968,74061;76466,76561;77147,77205
 ;78566,78688;83323,84336
 35828 39432,83382 16,42;39387,39441;45921,46008;62400,62494;64
 252,64365;65773,65863;68461,68540;70520,70576;73968,74061;76466,76561;77147,7720
 5;78566,78688;83323,84326
 35829 75040,95284 1,52;139,302;75041,75226;76388,76468;95252,9
 6594
 35829 257,95284 180,302;75041,75226;76388,76468;95252,96602
 35830 75040,95284 1,52;139,302;75041,75226;76388,76468;95252,9
 6594

35830 257,95284 180,302;75041,75226;76388,76468;95252,96602
 35831 1383,8350 1,210;1372,1468;1968,2063;2222,2280;2589,2658;
 3132,3265;3491,3713;5117,5314;7131,7332;7606,7714;7894,7952;8281,9246
 35832 33,25806 1,143;2188,2307;3254,3339;4383,4464;4558,4650;5
 250,5319;5564,5633;7415,7490;7659,7790;7897,8012;8393,8517;10438,10497;10647,106
 84;10960,11090;11401,11472;14730,14843;15645,15798;16465,16557;16790,16909;17004
 ,17066;17557,17815;18062,18223;19286,19350;19583,19718;19799,19965;21300,21434;2
 3795,24176;24763,24846;25729,26149
 35832 33,25806 1,143;2188,2307;3254,3339;4383,4464;4558,4650;5
 250,5319;5564,5633;7415,7490;7659,7790;7897,8012;8393,8517;10438,10497;10647,106
 84;10960,11090;11401,11472;14730,14843;15645,15798;16465,16557;16790,16909;17004
 ,17066;17557,17815;18062,18223;19286,19350;19583,19718;19799,19965;21300,21434;2
 3795,24176;24763,24846;25729,26154
 35832 33,25806 1,143;2188,2307;3254,3339;4383,4464;4558,4650;5
 250,5319;5564,5633;7415,7490;7659,7790;7897,8012;8393,8517;10438,10497;10647,106
 84;10960,11090;11401,11472;14730,14843;15645,15798;16790,16909;17004,17066;17557
 ,17815;18062,18223;19286,19350;19583,19718;19799,19965;21300,21434;23795,24176;2
 4763,25191;25729,26149
 35832 33,25806 1,143;2188,2307;3254,3339;4383,4464;4558,4650;5
 250,5319;5564,5633;7415,7490;7659,7790;7897,8012;8393,8517;10438,10497;10647,106
 84;10960,11090;11401,11472;14730,14843;15645,15798;16790,16909;17004,17066;17557
 ,17815;18062,18223;19286,19350;19583,19718;19799,19965;21300,21434;23795,24176;2
 4763,25191;25729,26154
 35833 106,7747 1,232;716,898;1114,1288;2111,2232;2482,2666;323
 8,3396;3489,3611;5877,6089;6762,6963;7646,7890
 35833 106,7747 1,232;716,898;1114,1288;2111,2232;2482,2666;323
 8,3396;3489,3611;5877,6089;6762,6963;7646,7892
 35834 135,11372 1,272;709,772;2656,2790;3911,4084;4598,4701;62
 80,6390;6649,6808;6907,6989;7831,7927;8556,8703;9094,9227;10034,10136;10970,1104
 2;11300,12276
 35834 135,11372 81,272;709,772;2656,2790;3911,4084;4598,4701;6
 280,6390;6649,6808;6907,6989;7831,7927;8556,8703;9094,9227;10034,10136;10970,110
 42;11300,12276
 35835 115,20871 1,117;2174,2243;5892,6050;6850,6901;20855,2087
 1
 35835 115,8377 1,117;2174,2243;5892,6050;6850,6901;8358,10163
 35836 115,20871 1,117;2174,2243;5892,6050;6850,6901;20855,2087
 1
 35836 115,8377 1,117;2174,2243;5892,6050;6850,6901;8358,10163
 35837 19,11054 1,124;129,395;2549,2649;5327,5423;5990,6078;818
 8,8261;9596,9676;10262,10491;10590,10649;10890,10913;10916,10945;10950,11143
 35837 19,11054 1,395;2549,2649;5327,5423;5990,6078;8188,8261;9
 596,9676;10262,10491;10590,10649;10890,11143
 35838 121,123429 101,190;14521,14578;20734,20805;23480,23611;2
 7465,27529;34228,34354;47494,47557;49408,49494;50942,51092;53121,53268;60754,608
 61;87615,87768;100694,100796;111642,111771;120583,120662;123334,124335
 35838 121,123429 1,190;14521,14578;20734,20805;23480,23611;274
 65,27529;34228,34354;47494,47557;49408,49494;50942,51092;53121,53268;60754,60861
 ;87615,87768;100694,100796;111642,111771;120583,120662;123334,124335
 35838 121,66002 1,190;14521,14578;20734,20805;27465,27529;3422

8,34354;47494,47557;49408,49494;50942,51092;53121,53268;60754,60861;65983,66955
 35838 87745,123429 87663,87768;100694,100796;111642,111771;120
 583,120662;123334,124335
 35838 87745,120636 87663,87768;100694,100796;120583,120662;123
 334,124335
 35838 87745,123429 87663,87768;100703,100796;111642,111771;120
 583,120662;123334,124335
 35839 4208,5978 1,386;4195,6009;10701,13283
 35840 39206,65636 1,650;1079,1242;39207,39270;53421,53452;5353
 2,53609;53696,53801;62203,62296;65591,67266
 35840 39269,65636 1,650;1079,1242;39207,39270;53421,53452;5353
 2,53609;53696,53801;62203,62296;65591,67266
 35840 626,65636 1,650;39207,39270;53421,53452;53532,53609;5369
 6,53801;62203,62296;65591,67266
 35840 461,65636 217,650;39207,39270;53421,53452;53532,53609;53
 696,53801;62203,62296;65591,66525
 35841 85,14117 1,168;2180,2310;3257,3329;3873,3989;5819,5907;7
 067,7171;7846,7981;9343,9473;13996,14324
 35841 85,14117 45,168;2180,2310;3257,3329;3873,3989;5819,5907;
 7067,7171;7846,7981;9343,9473;13996,14324
 35841 7002,8435 6330,7171;7846,8482;14212,14324
 35842 218,20028 1,659;13384,13545;14739,14892;18308,18348;1951
 9,19608;19840,20722
 35842 218,20028 17,659;13384,13545;14739,14892;18308,18348;195
 19,19608;19840,20727
 35843 2,42517 1,220;5358,5492;6730,6900;8808,8970;11913,12011;
 18013,18122;19417,19567;20276,20359;22457,22539;27612,27702;30699,30851;31425,31
 557;32950,33012;33851,33963;34949,35104;36671,36822;38053,38179;38265,38338;3979
 1,39877;42278,42316;42511,42659
 35843 188,42517 6,220;5358,5492;6730,6900;8808,8970;11913,1201
 1;18013,18122;19417,19567;20276,20359;22457,22539;27612,27702;30699,30851;31425,
 31557;32950,33012;33851,33963;34949,35104;36671,36822;38053,38179;38265,38338;39
 791,39877;42278,42316;42511,42664
 35843 188,42422 6,220;5358,5492;6730,6900;8808,8970;11913,1201
 1;18013,18122;19417,19567;20276,20359;22457,22539;27612,27702;30699,30851;31425,
 31557;32950,33012;33851,33963;34949,35104;36671,36822;38053,38179;38265,38338;39
 791,39877;42278,43939
 35843 188,42422 6,220;5358,5492;6730,6900;8808,8970;11913,1201
 1;18013,18122;19417,19567;20276,20359;22457,22539;27612,27702;30699,30851;31425,
 31557;32950,33012;33851,33963;34949,35104;36671,36822;38053,38179;38265,38338;39
 791,39877;42278,43942
 35843 188,42422 6,220;5358,5492;8808,8970;11913,12011;18013,18
 122;19417,19567;20276,20359;22457,22539;27612,27702;30699,30851;31425,31557;3295
 0,33012;33851,33963;34949,35104;36671,36822;38053,38179;38265,38338;39791,39877;
 42278,43939
 35843 188,42422 6,220;5358,5492;8808,8970;11913,12011;18013,18
 122;19417,19567;20276,20359;22457,22539;27612,27702;30699,30851;31425,31557;3295
 0,33012;33851,33963;34949,35104;36671,36822;38053,38179;38265,38338;39791,39877;
 42278,43942
 35844 925,42030 1,244;868,1015;5414,5643;6042,6211;9174,9288;1

1269, 11361; 13349, 13486; 16702, 16821; 18756, 18863; 18948, 19094; 20139, 20284; 22838, 22934; 23908, 24068; 25238, 25358; 30290, 30517; 30993, 31172; 33427, 33571; 34823, 34942; 38522, 38667; 39556, 39645; 41166, 41321; 41970, 42346

35845 925, 42030 1, 244; 868, 1015; 5414, 5643; 6042, 6211; 9174, 9288; 1269, 11361; 13349, 13486; 16702, 16821; 18756, 18863; 18948, 19094; 20139, 20284; 22838, 22934; 23908, 24068; 25238, 25358; 30290, 30517; 30993, 31172; 33427, 33571; 34823, 34942; 38522, 38667; 39556, 39645; 41166, 41321; 41970, 42346

35846 5489, 7961 1, 64; 5482, 5726; 6682, 6784; 7570, 9237

35847 208, 14553 1, 227; 11665, 11737; 11742, 11822; 12707, 12882; 14087, 14172; 14422, 15679

35847 208, 14553 1, 227; 11665, 11822; 12707, 12882; 14087, 14172; 14422, 15679

35848 292, 2289 1, 342; 855, 3040

35849 389, 111154 1, 454; 27542, 27739; 49757, 49870; 70626, 70786; 71760, 71874; 73816, 74044; 78395, 78540; 79266, 79442; 81576, 81746; 82326, 82433; 84911, 85035; 87549, 87645; 89432, 89566; 103320, 103506; 107053, 107198; 111022, 115246

35849 389, 111154 50, 454; 49757, 49870; 70626, 70786; 71760, 71874; 73816, 74044; 78395, 78540; 79266, 79442; 81576, 81746; 82326, 82433; 84911, 85035; 87549, 87645; 89432, 89566; 103320, 103506; 107053, 107198; 111022, 111488

35850 381, 26568 1, 143; 345, 482; 13047, 13256; 15048, 15221; 18521, 18610; 18724, 18885; 21487, 21605; 26495, 27181

35850 381, 26568 374, 482; 13047, 13256; 15048, 15221; 18521, 18610; 18724, 18885; 21487, 21605; 26495, 27181

35851 21283, 22531 1, 77; 12577, 12711; 14479, 14537; 21231, 23550

35851 21283, 22531 285, 440; 12577, 12711; 14479, 14537; 21231, 23550

35852 3786, 41815 1, 59; 3747, 3876; 5945, 6022; 7278, 7388; 13254, 13422; 13859, 13954; 15229, 15274; 15687, 15799; 20176, 20228; 21880, 21971; 24867, 25038; 27902, 28100; 29704, 29981; 30144, 30316; 32563, 32752; 33499, 33553; 33815, 33989; 34346, 34418; 35726, 35921; 36009, 36097; 37640, 37693; 38611, 38692; 39555, 39772; 40255, 40360; 41766, 42165

35852 33915, 49582 33915, 33989; 34346, 34418; 35726, 35921; 36009, 36097; 37640, 37693; 38611, 38692; 39555, 39772; 40255, 40360; 45164, 45231; 47420, 47617; 49544, 50172

35852 35845, 49148 35846, 35921; 36009, 36097; 37640, 37693; 38611, 38692; 39555, 39772; 40255, 40360; 45164, 45231; 47420, 47617; 48025, 48075; 48863, 48946; 48951, 49509

35852 3786, 48958 3743, 3876; 5945, 6022; 7278, 7388; 13254, 13422; 13859, 13954; 15229, 15274; 15687, 15799; 20176, 20228; 21880, 21971; 24867, 25038; 27902, 28100; 29704, 29981; 30144, 30316; 32563, 32752; 33499, 33553; 33815, 33989; 34346, 34418; 35726, 35921; 36009, 36097; 37640, 37693; 38611, 38692; 39555, 39772; 40255, 40360; 45164, 45231; 47420, 47617; 48863, 49515

35852 3786, 48958 3745, 3876; 5945, 6022; 7278, 7388; 13254, 13422; 13859, 13954; 15229, 15274; 15687, 15799; 20176, 20228; 21880, 21965; 24867, 25038; 27902, 28100; 29704, 29981; 30144, 30316; 32563, 32752; 33499, 33553; 33815, 33989; 34346, 34418; 35726, 35921; 36009, 36097; 37640, 37693; 38611, 38692; 39555, 39772; 40255, 40360; 45164, 45231; 47420, 47617; 48863, 49515

35853 129, 24709 1, 148; 4060, 4205; 8432, 8580; 10580, 10639; 17483, 17584; 20780, 20806; 22328, 22369; 23954, 24002; 24614, 26299

35853 129, 24709 1, 148; 4060, 4205; 8432, 8580; 10580, 10639; 17483, 17584; 22328, 22369; 23954, 24002; 24614, 26299

35853 129,24709 1,148;4060,4205;8432,8580;10580,10639;17483,17
 584;23954,24002;24614,26299
 35853 129,24709 1,148;4060,4205;8432,8580;17483,17584;20780,20
 806;22328,22369;23954,24002;24614,26299
 35853 129,24709 1,148;4060,4205;8432,8580;17483,17584;22328,22
 369;23954,24002;24614,26299
 35853 129,24709 1,148;4060,4205;8432,8580;17483,17584;23954,24
 002;24614,26299
 35854 91,28462 1,562;6358,6507;10422,10593;15953,16081;18569,1
 8714;20196,20279;28409,33787
 35854 91,28462 92,562;6358,6507;10422,10593;15953,16081;18569,
 18714;20196,20279;28409,29178
 35855 162,56685 1,232;7877,8312;13708,13892;28145,28304;29612,
 29830;35533,35700;41529,41615;42533,42682;43607,43715;44256,44447;47382,47504;51
 501,51691;54785,54954;56514,57077
 35855 162,56685 1,232;7877,8312;13708,13901;28145,28304;29612,
 29830;35533,35700;41529,41615;42533,42682;43607,43715;44256,44447;47382,47504;51
 501,51691;54785,54954;56514,56595;56598,56684
 35855 162,56632 1,232;7877,8312;13708,13901;28145,28304;29612,
 29830;35533,35700;41529,41615;42533,42682;43607,43715;44256,44447;47382,47504;51
 501,51691;54785,54954;56514,57077
 35856 65,11162 1,98;204,215;698,826;3736,3886;4804,4889;4965,5
 012;6314,6380;7192,7250;11076,11517
 35857 14659,16775 1,384;3488,3678;5769,5906;7877,8013;8933,912
 3;9288,9391;14148,14262;14370,14489;14618,14716;14719,14721;15377,15532;16524,16
 574;16698,17153
 35857 164,16775 1,384;3488,3678;5769,5906;7877,8013;8933,9123;
 9288,9391;14148,14262;14370,14489;14618,14721;15377,15532;16524,16574;16698,1715
 3
 35858 69,22975 1,286;7303,7433;9670,9782;9915,10035;10313,1037
 4;10466,10511;11032,11157;11391,11435;11575,11618;13341,13397;13551,13603;13893,
 14101;14373,14564;14792,14837;15021,15122;15301,15356;15488,15642;15943,16080;16
 217,16284;16937,17087;17174,17266;17412,17491;17602,17682;17789,17894;18272,1842
 1;19320,19403;19509,19622;20569,20670;21780,21902;22891,24004
 35858 69,22975 16,286;7303,7433;9670,9782;9915,10035;10313,103
 74;10466,10511;11032,11157;11391,11435;11575,11618;13341,13397;13551,13603;13893
 ,14101;14373,14564;14792,14837;15021,15122;15301,15356;15488,15642;15943,16080;1
 6217,16284;16937,17087;17174,17266;17412,17491;17602,17682;17789,17894;18272,184
 21;19320,19403;19509,19622;20569,20670;21780,21902;22891,23996
 35859 12,59392 1,99;26535,26693;28383,28465;31384,31524;37730,
 37801;39862,40022;41375,41484;42123,42196;43026,43181;44700,44820;45729,45798;51
 402,51549;53061,53246;53958,54096;54553,54638;55388,55533;58655,58727;59290,5948
 2
 35859 12,59392 8,99;26535,26693;28383,28465;31384,31524;37730,
 37801;39862,40022;41375,41484;42123,42196;43026,43181;44700,44820;45729,45798;51
 402,51549;53061,53246;53958,54096;54553,54638;55388,55533;58655,58727;59290,5948
 2
 35860 136,32154 1,274;9284,9435;11490,11555;14965,15019;15118,
 15216;22748,22880;23409,23557;25228,25380;28500,28632;29881,30011;30921,31158;32
 000,32327

35861 18635,24292 1,81;18629,18752;19802,19875;20766,20823;230
67,23139;24156,24404

35862 290,47556 13,429;25104,25235;27062,27292;29991,30095;321
60,32231;36911,37062;42116,42250;47452,51192

35862 377,47556 13,429;25104,25235;27062,27292;29991,30095;321
60,32231;36911,37062;42116,42250;47452,51192

35862 377,32207 1,428;30057,30095;32160,32231;47452,51192

35862 377,47556 1,73;291,429;25104,25235;27062,27292;29991,300
95;32160,32231;36911,37062;42116,42250;47452,51192

35862 40,47556 1,73;291,429;25104,25235;27062,27292;29991,3009
5;32160,32231;36911,37062;42116,42250;47452,51192

35863 290,47556 13,429;25104,25235;27062,27292;29991,30095;321
60,32231;36911,37062;42116,42250;47452,51192

35863 377,47556 13,429;25104,25235;27062,27292;29991,30095;321
60,32231;36911,37062;42116,42250;47452,51192

35863 377,32207 1,428;30057,30095;32160,32231;47452,51192

35863 377,47556 1,73;291,429;25104,25235;27062,27292;29991,300
95;32160,32231;36911,37062;42116,42250;47452,51192

35863 40,47556 1,73;291,429;25104,25235;27062,27292;29991,3009
5;32160,32231;36911,37062;42116,42250;47452,51192

35864 16095,248680 1,552;16088,16132;20907,21059;21838,21940;2
5875,25914;28056,28145;248174,248680

35864 16095,41927 1,552;16088,16132;20907,21059;21838,21940;25
875,25914;28056,28145;35324,35429;41791,42951

35864 16095,41927 490,552;16088,16132;20907,21059;21838,21940;
25875,25914;28056,28145;35324,35429;41791,42951

35865 16095,248680 1,552;16088,16132;20907,21059;21838,21940;2
5875,25914;28056,28145;248174,248680

35865 16095,41927 1,552;16088,16132;20907,21059;21838,21940;25
875,25914;28056,28145;35324,35429;41791,42951

35865 16095,41927 490,552;16088,16132;20907,21059;21838,21940;
25875,25914;28056,28145;35324,35429;41791,42951

35866 794,2219 14,876

35867 794,2219 14,876

35868 40,7980 1,154;405,590;1633,1774;2065,2114;5085,5155;5288
,5342;5815,5886;6448,6556;7116,7184;7820,9318

35869 40,7980 1,154;405,590;1633,1774;2065,2114;5085,5155;5288
,5342;5815,5886;6448,6556;7116,7184;7820,9318

35870 952,8801 1,54;806,1515;2180,2240;5117,5212;5300,5461;622
3,6348;6699,6919;7376,7419;7824,7909;8760,9122

35870 952,8801 834,1515;2180,2240;5117,5212;5300,5461;6223,634
8;6699,6919;7376,7419;7824,7909;8760,9119

35870 952,7442 953,1050;1093,1171;1196,1515;2180,2240;5117,521
2;5300,5461;6223,6348;6699,6919;7376,7442

35870 952,8801 953,1515;2180,2240;5117,5212;5300,5461;6223,634
8;6699,6919;7376,7419;7824,7909;8760,9123

35871 111,59664 1,149;28735,28823;35067,35251;37825,37989;4004
1,40102;41010,41090;44902,44970;47968,48088;52002,52158;52865,53006;54446,54616;
55853,56032;57977,58139;59575,62888

35871 28735,59664 1,149;28735,28823;35067,35251;37825,37989;40

041,40102;41010,41090;44902,44970;47968,48088;52002,52158;52865,53006;54446,54616;55853,56032;57977,58139;59575,62888
35872 111,59664 1,149;28735,28823;35067,35251;37825,37989;4004
1,40102;41010,41090;44902,44970;47968,48088;52002,52158;52865,53006;54446,54616;
55853,56032;57977,58139;59575,62888
35872 28735,59664 1,149;28735,28823;35067,35251;37825,37989;40
041,40102;41010,41090;44902,44970;47968,48088;52002,52158;52865,53006;54446,54616;
55853,56032;57977,58139;59575,62888
35873 68,32488 1,134;10247,10418;12043,12153;13132,13262;14145
,14249;14856,14981;17066,17257;17720,17872;22306,22444;25160,25290;29343,29450;3
2013,32096;32423,33115
35874 28656,49611 1,1543;28656,28762;39306,39401;42686,42749;4
3446,43559;45577,45716;49496,49762
35874 1526,49611 673,1543;28656,28762;39306,39401;42686,42749;
43446,43559;45577,45716;49496,50576
35875 17361,89405 1,225;17331,17451;18974,19591;25994,26596;32
679,33263;34943,35542;36834,37406;39158,39766;41841,42446;45001,45615;46892,4749
1;48143,48480;49750,49828;50780,50925;52347,52439;53004,53057;54019,54090;54790,
54816;54928,54972;55090,55143;55595,55657;56296,56361;56787,56840;59244,59279;60
775,60837;61594,61656;62986,63048;63969,64031;65515,65565;65794,65829;66309,6637
1;67613,67675;68965,68997;69084,69120;69226,69237;69335,69828;72017,72113;73028,
73726;75061,75163;77646,78043;79289,79552;80630,80728;88454,88618;89364,90159
35875 17361,89405 1,225;17331,17451;18974,19591;25994,26596;32
679,33263;34943,35542;36834,37406;39158,39766;41841,42446;45001,45615;46892,4749
1;48143,48480;49750,49828;50780,50925;52347,52439;53004,53057;54019,54090;54790,
54816;54928,54972;55090,55143;55595,55657;56296,56361;56787,56840;59244,59279;60
775,60837;61594,61656;62986,63048;63969,64031;65515,65565;65794,65829;66309,6637
1;67613,67675;68965,68997;69084,69120;69226,69237;69335,69828;72017,72113;73028,
73726;75061,75163;77646,78043;79289,79552;80630,80728;88454,88618;89364,90160
35875 17361,89405 1,225;17331,17451;18974,19591;25994,26596;32
679,33263;34943,35542;36834,37406;39158,39766;41841,42446;45502,45615;46892,4749
1;48143,48480;49750,49828;50780,50925;52347,52439;53004,53057;54019,54090;54790,
54816;54928,54972;55090,55143;55595,55657;56296,56361;56787,56840;59244,59279;60
775,60837;61594,61656;62986,63048;63969,64031;65515,65565;65794,65829;66309,6637
1;67613,67675;68965,68997;69084,69120;69226,69237;69335,69828;72017,72113;73028,
73726;75061,75163;77646,78043;79289,79552;80630,80728;88454,88618;89364,90159
35875 17361,89405 1,225;17331,17451;18974,19591;25994,26596;32
679,33263;36834,37406;39158,39766;41841,42446;45001,45615;46892,47491;48143,4848
0;49750,49828;50780,50925;52347,52439;53004,53057;54019,54090;54790,54816;54928,
54972;55090,55143;55595,55657;56296,56361;56787,56840;59244,59279;60775,60837;61
594,61656;62986,63048;63969,64031;65515,65565;65794,65829;66309,66371;67613,6767
5;68965,68997;69084,69120;69226,69237;69335,69828;72017,72113;73028,73726;75061,
75163;77646,78043;79289,79552;80630,80728;88454,88618;89364,90159
35875 17361,89405 1,225;17331,17451;18974,19591;25994,26596;32
679,33263;36834,37406;39158,39766;41841,42446;45001,45615;46892,47491;48143,4848
0;49750,49828;50780,50925;52347,52439;53004,53057;54019,54090;54790,54816;54928,
54972;55090,55143;55595,55657;56296,56361;56787,56840;59244,59279;60775,60837;61
594,61656;62986,63048;63969,64031;65515,65565;65794,65829;66309,66371;67613,6767
5;68965,68997;69084,69120;69226,69237;69335,69828;72017,72113;73028,73726;75061,
75163;77646,78043;79289,79552;80630,80728;88454,88618;89364,90160

35875 17361,89405 1,225;17331,17451;18974,19591;32679,33263;34
943,35542;36834,37406;39158,39766;41841,42446;45001,45615;46892,47491;48143,4848
0;49750,49828;50780,50925;52347,52439;53004,53057;54019,54090;54790,54816;54928,
54972;55090,55143;55595,55657;56296,56361;56787,56840;59244,59279;60775,60837;61
594,61656;62986,63048;63969,64031;65515,65565;65794,65829;66309,66371;67613,6767
5;68965,68997;69084,69120;69226,69237;69335,69828;72017,72113;73028,73726;75061,
75163;77646,78043;79289,79552;80630,80728;88454,88618;89364,90159

35875 17361,89405 1,225;17331,17451;18974,19591;32679,33263;34
943,35542;36834,37406;39158,39766;41841,42446;45001,45615;46892,47491;48143,4848
0;49750,49828;50780,50925;52347,52439;53004,53057;54019,54090;54790,54816;54928,
54972;55090,55143;55595,55657;56296,56361;56787,56840;59244,59279;60775,60837;61
594,61656;62986,63048;63969,64031;65515,65565;65794,65829;66309,66371;67613,6767
5;68965,68997;69084,69120;69226,69237;69335,69828;72017,72113;73028,73726;75061,
75163;77646,78043;79289,79552;80630,80728;88454,88618;89364,90160

35875 17361,89405 1,225;17331,17451;25994,26596;32679,33263;34
943,35542;36834,37406;39158,39766;41841,42446;45001,45615;46892,47491;48143,4848
0;49750,49828;50780,50925;52347,52439;53004,53057;54019,54090;54790,54816;54928,
54972;55090,55143;55595,55657;56296,56361;56787,56840;59244,59279;60775,60837;61
594,61656;62986,63048;63969,64031;65515,65565;65794,65829;66309,66371;67613,6767
5;68965,68997;69084,69120;69226,69237;69335,69828;72017,72113;73028,73726;75061,
75163;77646,78043;79289,79552;80630,80728;88454,88618;89364,90159

35875 17361,89405 17361,17451;25994,26596;32679,33263;34943,35
542;36834,37406;39158,39766;41841,42446;45001,45615;46892,47491;48143,48480;4975
0,49828;50780,50925;52347,52439;53004,53057;54019,54090;54790,54816;54928,54972;
55090,55143;55595,55657;56296,56361;56787,56840;59244,59279;60775,60837;61594,61
656;62986,63048;63969,64031;65515,65565;65794,65829;66309,66371;67613,67675;6896
5,68997;69084,69120;69226,69237;69335,69828;72017,72113;73028,73726;75061,75163;
77646,78043;79289,79552;80630,80728;88454,88618;89364,90160

35876 158,24856 1,195;8084,8214;10332,10463;16347,16442;16625,
16762;17779,17832;18690,18839;19860,19979;24662,25735

35876 158,24856 57,195;8084,8214;10332,10463;16347,16442;16625
,16762;17779,17832;18690,18839;19860,19979;24662,25735

35877 186,35898 1,211;12441,12537;17762,17860;19298,19352;1952
5,19557;20794,20881;23987,24062;31622,31730;32117,32212;32324,32408;33122,33245;
34122,34267;35771,36932

35877 186,35898 1,211;12441,12537;17762,17860;19298,19352;2079
4,20881;23987,24062;31622,31730;32117,32212;32324,32408;33122,33245;34122,34267;
35771,36932

35877 186,35898 162,211;12441,12537;17762,17860;19298,19352;20
794,20881;23987,24062;31622,31730;32117,32212;32324,32408;33122,33245;34122,3426
7;35771,35897

35878 564,10703 1,132;565,759;1305,1374;3376,3527;6054,6212;78
83,8060;8259,8475;10694,11010

35878 564,9482 1,132;565,759;1305,1374;3376,3527;6054,6212;788
3,8060;8259,8475;9467,11010

35878 564,9482 62,132;565,759;1305,1374;3376,3527;6054,6212;78
83,8060;8259,8475;9467,11010

35879 943,21944 11,1031;5419,5475;9381,9436;10379,10520;13120,
13249;13404,13470;15878,15984;16075,16168;16590,16713;17101,17195;17294,17412;20
586,20705;21123,21252;21674,21788;21919,22027

35879 13,21944 1,25;5421,5475;9381,9436;10379,10520;13120,1324
9;13404,13470;15878,15984;16075,16168;16590,16713;17101,17195;17294,17412;20586,
20705;21123,21252;21674,21788;21919,22027

35880 286,47148 1,565;43767,43906;44092,44156;44453,44532;4502
9,45155;45745,45820;46195,46319;46697,46782;46896,46976;47095,49338

35880 286,47775 1,565;43767,43906;44092,44156;44453,44532;4502
9,45155;45745,45820;46195,46319;46697,46782;46896,46976;47632,49338

35881 51,15515 1,57;7956,8120;8237,8367;11413,11526;13361,1346
2;15209,17084

35881 51,15515 1,57;7956,8120;8237,8367;11413,11526;13361,1346
2;15209,17087

35882 2205,25625 1,532;644,906;1726,1816;1974,2052;2131,2265;2
603,2678;2914,3086;25385,25389;25529,25625

35882 797,29288 763,906;1726,1816;1974,2052;2131,2265;2603,267
8;2914,3086;3245,3351;10864,10980;11127,11330;13028,13229;16932,17006;24405,2457
5;24715,24810;24943,25060;25458,25671;27427,27558;27661,27765;27857,28043;28627,
28698;28952,29044;29142,29358

35882 797,29288 775,906;1726,1816;1974,2052;2131,2265;2603,267
8;2914,3086;3245,3351;10864,10980;11127,11330;13028,13229;16932,17006;24405,2457
5;24715,24810;24943,25060;25458,25671;27427,27558;27661,27765;27857,28043;28627,
28698;28952,29044;29142,29357

35883 232,43603 1,251;7213,7301;11266,11443;12655,12755;14864,
14923;16821,16860;17120,17282;23540,23681;25065,25148;26824,26985;27361,27440;28
403,28604;31904,32053;32255,32476;34294,34370;37506,37641;38783,38878;40302,4049
0;43415,44095

35884 208,14110 118,224;2142,2209;2687,2773;3150,3241;3459,364
3;4240,4304;4499,4625;5545,5675;6410,6553;8002,8122;10374,10492;11845,11948;1243
8,12516;13430,13567;14042,14928

35884 1,14110 1,224;2142,2209;2687,2773;3150,3241;3459,3643;42
40,4304;4499,4625;5545,5675;6410,6553;8002,8122;10374,10492;11845,11948;12438,12
516;13430,13567;14042,14924

35885 75,42509 1,340;11659,11759;20489,20534;21099,21201;23962
,24052;27342,27487;29084,29218;31221,31350;34720,34842;35601,35748;39381,39560;4
1430,41767;42501,43202

35885 75,42205 1,340;11659,11759;20489,20534;21099,21201;23962
,24052;27342,27487;29084,29218;31221,31350;34720,34842;35601,35748;39381,39560;4
1430,43200

35885 75,42205 1,340;11659,11759;20489,20534;21099,21201;23962
,24052;27342,27487;29084,29218;31221,31350;34720,34842;35601,35748;39381,39560;4
1430,43202

35886 67,17448 1,211;587,692;3752,3948;11984,12097;15647,15743
;16636,16778;17296,18130

35886 67,17448 7,211;587,692;3752,3948;11984,12097;15647,15743
;16636,16778;17296,17601

35887 85,6379 1,280;1613,1643;2202,2290;4024,4120;4854,4929;62
44,7862

35887 85,6379 1,280;1613,1643;2202,2290;4024,4120;4854,4929;62
44,7868

35888 85,6379 1,280;1613,1643;2202,2290;4024,4120;4854,4929;62
44,7862

35888 85,6379 1,280;1613,1643;2202,2290;4024,4120;4854,4929;62
44,7868

35889 18760,148202 1,71;18743,19104;33601,33757;58325,58352;70
280,70382;74535,74627;78169,78232;80836,80934;85300,85443;93121,93216;96354,9647
2;97284,97436;99012,99185;100498,100671;103504,103618;106681,106874;108844,10896
5;109069,109138;109282,109442;111775,111883;115121,115252;115343,115549;116824,1
16961;118324,118447;119392,119563;121434,121646;124304,124448;129958,130164;1320
20,132124;132213,132365;132603,132851;135378,135590;135961,136173;136700,136861;
137299,137427;137704,137792;138574,138697;139664,139872;141740,141848;141931,142
103;148171,148201

35889 18760,148202 1,71;18743,19104;33601,33757;58325,58352;70
280,70382;74535,74627;78169,78232;80836,80934;85300,85443;93121,93216;96354,9647
2;97284,97436;99012,99185;100498,100671;103504,103618;106681,106874;108844,10896
5;109069,109138;109282,109442;111775,111883;115121,115252;115343,115549;116824,1
16961;118324,118447;119392,119563;121434,121646;124304,124448;129958,130164;1320
20,132124;132213,132365;132603,132851;135378,135590;135961,136173;136700,136861;
137299,137427;137704,137792;138574,138697;139664,139872;141740,141848;141931,142
103;148171,148209;152889,153875

35889 18760,153022 1,71;18743,19104;33601,33757;58325,58352;70
280,70382;74535,74627;78169,78232;80836,80934;85300,85443;93121,93216;96354,9647
2;97284,97436;99012,99185;100498,100671;103504,103618;106681,106874;108844,10896
5;109069,109138;109282,109442;111775,111883;115121,115252;115343,115549;116824,1
16961;118324,118447;119392,119563;121434,121646;124304,124448;129958,130164;1320
20,132124;132213,132365;132603,132851;135378,135590;135961,136173;136700,136861;
137299,137427;137704,137792;138574,138697;139664,139872;141740,141848;141931,142
103;152889,153875

35890 18760,148202 1,71;18743,19104;33601,33757;58325,58352;70
280,70382;74535,74627;78169,78232;80836,80934;85300,85443;93121,93216;96354,9647
2;97284,97436;99012,99185;100498,100671;103504,103618;106681,106874;108844,10896
5;109069,109138;109282,109442;111775,111883;115121,115252;115343,115549;116824,1
16961;118324,118447;119392,119563;121434,121646;124304,124448;129958,130164;1320
20,132124;132213,132365;132603,132851;135378,135590;135961,136173;136700,136861;
137299,137427;137704,137792;138574,138697;139664,139872;141740,141848;141931,142
103;148171,148201

35890 18760,148202 1,71;18743,19104;33601,33757;58325,58352;70
280,70382;74535,74627;78169,78232;80836,80934;85300,85443;93121,93216;96354,9647
2;97284,97436;99012,99185;100498,100671;103504,103618;106681,106874;108844,10896
5;109069,109138;109282,109442;111775,111883;115121,115252;115343,115549;116824,1
16961;118324,118447;119392,119563;121434,121646;124304,124448;129958,130164;1320
20,132124;132213,132365;132603,132851;135378,135590;135961,136173;136700,136861;
137299,137427;137704,137792;138574,138697;139664,139872;141740,141848;141931,142
103;148171,148209;152889,153875

35890 18760,153022 1,71;18743,19104;33601,33757;58325,58352;70
280,70382;74535,74627;78169,78232;80836,80934;85300,85443;93121,93216;96354,9647
2;97284,97436;99012,99185;100498,100671;103504,103618;106681,106874;108844,10896
5;109069,109138;109282,109442;111775,111883;115121,115252;115343,115549;116824,1
16961;118324,118447;119392,119563;121434,121646;124304,124448;129958,130164;1320
20,132124;132213,132365;132603,132851;135378,135590;135961,136173;136700,136861;
137299,137427;137704,137792;138574,138697;139664,139872;141740,141848;141931,142
103;152889,153875

35891 18760,148202 1,71;18743,19104;33601,33757;58325,58352;70
280,70382;74535,74627;78169,78232;80836,80934;85300,85443;93121,93216;96354,9647
2;97284,97436;99012,99185;100498,100671;103504,103618;106681,106874;108844,10896
5;109069,109138;109282,109442;111775,111883;115121,115252;115343,115549;116824,1
16961;118324,118447;119392,119563;121434,121646;124304,124448;129958,130164;1320
20,132124;132213,132365;132603,132851;135378,135590;135961,136173;136700,136861;
137299,137427;137704,137792;138574,138697;139664,139872;141740,141848;141931,142
103;148171,148201

35891 18760,148202 1,71;18743,19104;33601,33757;58325,58352;70
280,70382;74535,74627;78169,78232;80836,80934;85300,85443;93121,93216;96354,9647
2;97284,97436;99012,99185;100498,100671;103504,103618;106681,106874;108844,10896
5;109069,109138;109282,109442;111775,111883;115121,115252;115343,115549;116824,1
16961;118324,118447;119392,119563;121434,121646;124304,124448;129958,130164;1320
20,132124;132213,132365;132603,132851;135378,135590;135961,136173;136700,136861;
137299,137427;137704,137792;138574,138697;139664,139872;141740,141848;141931,142
103;148171,148209;152889,153875

35891 18760,153022 1,71;18743,19104;33601,33757;58325,58352;70
280,70382;74535,74627;78169,78232;80836,80934;85300,85443;93121,93216;96354,9647
2;97284,97436;99012,99185;100498,100671;103504,103618;106681,106874;108844,10896
5;109069,109138;109282,109442;111775,111883;115121,115252;115343,115549;116824,1
16961;118324,118447;119392,119563;121434,121646;124304,124448;129958,130164;1320
20,132124;132213,132365;132603,132851;135378,135590;135961,136173;136700,136861;
137299,137427;137704,137792;138574,138697;139664,139872;141740,141848;141931,142
103;152889,153875

35892 475,79410 1,249;389,511;1627,1802;4868,5003;8400,8473;16
997,17185;17275,17338;22549,22751;25193,25313;27483,27671;27947,28126;28262,2837
4;30289,30368;38673,38808;40297,40455;41684,41811;42031,42154;42711,42915;43526,
43669;43880,44111;47730,47893;49606,49830;51137,51351;52038,52134;63002,63371;66
083,66267;67704,67945;70983,71186;71860,72004;73741,73948;74155,74296;77001,7717
7;78971,79130;79273,79541

35892 475,79410 1,249;389,511;1627,1802;4868,5003;8400,8473;16
997,17185;17275,17338;22549,22751;25193,25313;27483,27671;27947,28126;28262,2837
4;30289,30368;38673,38808;40297,40455;41684,41811;42031,42154;42711,42915;43526,
43669;43880,44111;47730,47893;49606,49830;51137,51351;52038,52134;63002,63371;66
083,66267;67704,67945;70983,71186;71860,72004;73741,73948;74155,74296;77001,7717
7;78971,79130;79273,79542

35893 7,14035 1,33;1762,1861;1992,2055;8097,8225;9914,10024;13
950,15140

35893 27147,50197 27119,27594;33385,33525;33864,34012;40628,40
744;41800,42035;44383,44496;45857,45969;46140,46248;47718,47942;48835,48977;5003
9,50627

35893 55617,59804 52426,55780;56438,56659;56825,56917;57121,57
159;57344,57355;57428,57517;57663,57779;58310,58505;59690,60484

35893 55617,59804 52426,55780;56438,56659;56825,56917;57121,57
240;57428,57517;57663,57779;58310,58505;59690,60484

35893 55617,59804 52426,55780;56438,56659;56825,56917;57121,57
240;57428,57517;57663,57779;58310,58505;59690,60486

35893 55617,59804 55077,55187;55610,55780;56438,56659;56825,56
917;57121,57240;57428,57517;57663,57779;58310,58505;59690,60484

35894 450,35836 1,773;14421,14594;15055,15181;16811,16920;1963

6, 19784; 23487, 23694; 26247, 26381; 27754, 27861; 28677, 28793; 32264, 32361; 33233, 33355; 35682, 37934

35894 450, 35836 18, 773; 14421, 14594; 15055, 15181; 16811, 16920; 196

36, 19784; 23487, 23694; 26247, 26381; 27754, 27861; 28677, 28793; 32264, 32361; 33233, 33355; 35682, 37934

35895 82, 5161 1, 248; 680, 800; 1133, 1225; 3268, 3421; 3931, 4014; 4099, 4244; 4941, 5063; 5140, 5405

35895 82, 5161 25, 248; 680, 800; 1133, 1225; 3268, 3421; 3931, 4014; 4099, 4244; 4941, 5063; 5140, 5433

35896 54, 15563 1, 159; 328, 410; 3567, 3723; 6608, 6763; 7431, 7574; 8207, 8342; 11845, 12029; 13636, 13757; 14450, 14585; 15513, 15587; 19020, 20505

35896 54, 15563 54, 172; 278, 296; 366, 410; 3567, 3723; 6608, 6763; 7431, 7574; 8207, 8342; 11845, 12029; 13636, 13757; 14450, 14585; 15513, 15587; 19020, 20348

35897 27, 5520 1, 104; 3098, 3279; 4882, 5020; 5448, 7122

35898 150807, 154798 1, 177; 62870, 62943; 96365, 96478; 138468, 138563; 144286, 144436; 150665, 150810; 151712, 151863; 152659, 152770; 153231, 153383; 154132, 154270; 154547, 154672; 154761, 154936

35898 150807, 154798 1, 204; 6152, 6259; 62870, 62943; 96365, 96478; 138468, 138563; 144286, 144436; 150665, 150810; 151712, 151863; 152659, 152770; 153231, 153383; 154132, 154270; 154547, 154672; 154761, 154936

35898 150807, 154798 1, 204; 62870, 62943; 96365, 96478; 138468, 138563; 144286, 144436; 150665, 150810; 151712, 151863; 152659, 152770; 153231, 153383; 154132, 154270; 154547, 154672; 154761, 154936

35898 131402, 144391 131342, 131416; 138468, 138563; 144286, 144436; 145149, 145173

35898 131402, 144391 131342, 131416; 138468, 138563; 144286, 144436; 150665, 150810; 151712, 151863; 152659, 152770; 153231, 153383; 154132, 154270; 154547, 154672; 154761, 154936

35898 150807, 154798 131342, 131416; 138468, 138563; 144286, 144436; 150665, 150810; 151712, 151863; 152659, 152770; 153231, 153383; 154132, 154270; 154547, 154672; 154761, 154936

35898 131402, 144391 131388, 131416; 138468, 138563; 144286, 144436; 155890, 155996; 156301, 156438; 158129, 158791; 175324, 175382

35898 154134, 156409 131388, 131416; 138468, 138563; 154132, 154270; 154547, 154672; 156301, 156395; 156398, 156438; 175324, 175382

35898 150807, 154798 32905, 33070; 62870, 62943; 96365, 96478; 138468, 138563; 144286, 144436; 150665, 150810; 151712, 151863; 152659, 152770; 153231, 153383; 154132, 154270; 154547, 154672; 154761, 154936

35899 30952, 32213 1, 396; 30952, 31198; 31377, 31517; 32172, 33937

35899 367, 32213 1, 396; 30952, 31198; 31377, 31517; 32172, 33939

35900 30952, 32213 1, 396; 30952, 31198; 31377, 31517; 32172, 33937

35900 367, 32213 1, 396; 30952, 31198; 31377, 31517; 32172, 33939

35901 94, 2895 1, 161; 679, 759; 1081, 1190; 1662, 1733; 2559, 2684; 2809, 3295

35901 94, 2895 59, 161; 679, 759; 1081, 1190; 1662, 1733; 2559, 2684; 2809, 3294

35902 43, 67125 1, 76; 12753, 12803; 13870, 13948; 14528, 14636; 23051, 23139; 42384, 42476; 45611, 45743; 47162, 47264; 48943, 49011; 49165, 49357; 49510, 49649; 50493, 50641; 53762, 53894; 58625, 58801; 61783, 61890; 64959, 65045; 67021, 68025

35903 55, 9371 1, 179; 4041, 4267; 9165, 12857

35904	55,9371	1,179;4041,4267;9165,12857
35905	55,9371	1,179;4041,4267;9165,12857
35906	58912,62505	1,108;22387,22460;58887,59068;59496,59670;60
		272,60441;60935,61121;62351,63829
35906	58912,62434	21776,22460;58887,59068;59496,59670;60272,60
		441;62351,63829
35906	58912,62434	22406,22460;58887,59068;59496,59670;60272,60
		441;60935,61121;61723,61922;62351,63424
35907	58912,62505	1,108;22387,22460;58887,59068;59496,59670;60
		272,60441;60935,61121;62351,63829
35907	58912,62434	21776,22460;58887,59068;59496,59670;60272,60
		441;62351,63829
35907	58912,62434	22406,22460;58887,59068;59496,59670;60272,60
		441;60935,61121;61723,61922;62351,63424
35908	8599,18039	1,101;8583,8656;8776,8895;9445,9510;12647,127
		50;16545,16676;17922,20302
35908	8599,18039	4,101;8583,8656;8776,8895;9445,9510;12647,127
		50;16545,16676;17922,19248;19255,20307
35909	1166,80436	1077,1369;32377,32454;34736,34858;36183,36353
		;42411,42545;42967,43074;45326,45422;46663,46772;48898,49056;50961,51080;52955,5
		3113;54019,54200;56404,56566;58693,58812;60332,60526;63148,63329;63489,63613;666
		66,66816;66966,67080;67749,68104;68659,68797;73079,73258;73884,74042;75585,76070
		;77532,77643;78408,78562;79444,79764;80298,82066
35909	756,80436	1,1369;32377,32454;34736,34858;36183,36353;424
		11,42545;45326,45422;46663,46772;48898,49056;50961,51080;52955,53113;54019,54200
		;56404,56566;58693,58812;60332,60526;63148,63329;63489,63613;66666,66816;66966,6
		7080;67749,68104;68659,68797;73079,73258;73884,74042;75585,76070;77532,77643;784
		08,78562;79444,79764;80298,82067
35909	756,80436	756,878;881,1369;32377,32454;34736,34858;36183
		,36353;42411,42545;45326,45422;46663,46772;48898,49056;50961,51080;52955,53113;5
		4019,54200;56404,56566;58693,58812;60332,60526;63148,63329;63489,63613;66666,668
		16;66966,67080;67749,68104;68659,68797;73079,73258;73884,74042;75585,76070;77532
		,77643;78408,78562;79444,79764;80298,82066
35910	200,25181	1,239;242,255;9245,9257;9262,9366;12403,12622;
		13469,13627;22229,22416;23105,23230;24164,24230;24317,24487;25042,26186
35910	194,25181	47,95;118,255;9245,9366;12403,12622;13469,1362
		7;22229,22416;23105,23230;24164,24230;24317,24487;25042,26185
35911	1,35387	1,101;2596,2731;4756,4930;5196,5358;17730,17854;
		17867,17869;35214,36085
35911	2594,35387	2595,2731;4756,4930;5196,5358;17730,17856;325
		07,32726;35214,36085
35911	94,35387	42,101;2596,2731;4756,4930;5196,5358;17730,1785
		6;32507,32726;34906,34956;35214,36086
35912	197,95581	1,269;52386,52495;68738,68863;81654,81760;9450
		4,94685;95417,98911
35913	197,95581	1,269;52386,52495;68738,68863;81654,81760;9450
		4,94685;95417,98911
35914	229,964	13,35;217,383;836,1033
35914	229,964	1,35;217,383;836,897;902,1033
35915	1785,25955	1,42;1778,1892;2295,2430;22748,22864;24226,24

322;25876,27092

35915 1785,25955 1785,1892;2295,2430;22748,22864;24226,24322;25876,27248

35916 24430,100099 1,132;24430,24599;28173,28323;28853,28913;31586,31680;38874,39058;43598,43652;45139,45260;45345,45385;50911,51023;72818,72892;75488,75577;78582,78695;80303,80434;82833,83087;99799,100525

35916 2948,4310 342,424;2840,6718

35916 24430,100099 5,132;24430,24599;31586,31680;43594,43652;45139,45260;45345,45385;50911,51023;72818,72892;75488,75577;78582,78695;80303,80434;82833,83087;99799,100404

35916 58,100099 7,132;24430,24599;28173,28323;28853,28913;31586,31680;38874,39054;43594,43652;45139,45260;45345,45385;50911,51023;72818,72892;75488,75577;78582,78695;80303,80434;82833,83087;99799,100404

35917 2096,8287 1,104;2093,2222;6422,6523;7602,7714;8170,8531

35917 2096,8287 1,104;667,886;2093,2222;6422,6523;7602,7714;8170,8531

35917 815,8287 1,104;667,886;2093,2222;6422,6523;7602,7714;8170,8531

35918 3264,53169 1,98;3251,3485;4654,4711;8079,8165;16862,17098;17364,17449;18217,18361;18802,18960;19925,20040;23109,23232;25093,25173;28082,28171;34725,34831;35448,35601;38385,38462;41038,41199;43518,43604;46664,46819;47537,47602;53080,53550

35918 3264,53169 311,401;3251,3485;4654,4711;8079,8165;16862,17098;17364,17449;18217,18361;18802,18960;19925,20040;23109,23232;25093,25173;28082,28171;34725,34831;35448,35601;38385,38462;41038,41199;43518,43604;46664,46819;47537,47602;53080,53550

35918 3264,53169 331,419;3251,3485;4654,4711;8079,8165;16862,17098;17364,17449;18217,18361;18802,18960;19925,20040;23109,23232;25093,25173;28082,28171;34725,34831;35448,35601;38385,38462;41038,41199;43518,43604;46664,46819;47537,47602;53080,53550

35919 3264,53169 1,98;3251,3485;4654,4711;8079,8165;16862,17098;17364,17449;18217,18361;18802,18960;19925,20040;23109,23232;25093,25173;28082,28171;34725,34831;35448,35601;38385,38462;41038,41199;43518,43604;46664,46819;47537,47602;53080,53550

35919 3264,53169 311,401;3251,3485;4654,4711;8079,8165;16862,17098;17364,17449;18217,18361;18802,18960;19925,20040;23109,23232;25093,25173;28082,28171;34725,34831;35448,35601;38385,38462;41038,41199;43518,43604;46664,46819;47537,47602;53080,53550

35919 3264,53169 331,419;3251,3485;4654,4711;8079,8165;16862,17098;17364,17449;18217,18361;18802,18960;19925,20040;23109,23232;25093,25173;28082,28171;34725,34831;35448,35601;38385,38462;41038,41199;43518,43604;46664,46819;47537,47602;53080,53550

35920 80,8034 1,215;294,461;564,695;814,917;1105,1293;1537,1601;1772,1886;2825,2943;3248,3455;3795,3860;5614,5850;6459,6849;7214,7363;7975,9381

35920 80,8034 1,215;294,461;564,695;814,917;1105,1293;1537,1601;1772,1886;2825,2943;3248,3455;3795,3860;5614,5850;6459,6849;7214,7363;7975,9383

35920 80,8034 16,215;294,461;564,695;814,917;1105,1293;1537,1601;1772,1886;2825,2943;3248,3455;3795,3860;6459,6849;7214,7363;7975,9383

35921 12835,48249 1,258;12236,12932;24818,24914;26814,26987;33
149,33271;34961,35030;36679,36851;40178,40282;48219,48451
35921 12835,48249 12630,12932;24818,24914;26814,26987;33149,33
271;34961,35030;36679,36851;40178,40282;48219,48453
35922 303,3972 1,68;303,720;1458,1540;1880,2036;2611,2775;2861
,2986;3249,3472;3852,4030
35922 303,3972 1,68;303,720;1458,1540;1880,2089;2643,2775;2861
,2986;3249,3472;3852,4030
35922 303,3972 189,720;1458,1540;1880,2036;2611,2775;2861,2986
;3249,3472;3852,4030
35922 303,3972 189,720;1458,1540;1880,2089;2643,2775;2861,2986
;3249,3472;3852,4030
35923 186,5045 1,312;449,533;1152,1231;2134,2318;2708,2837;295
0,3053;3481,3558;4229,4309;5015,5375
35924 525,159528 1,103;505,761;62518,62648;90036,90154;102965,
103124;106992,107136;113266,113340;114290,114378;114525,114682;117938,118062;125
446,125661;126879,126973;128126,128230;129123,129290;129688,129864;136872,136962
;138061,138261;138506,138674;139697,139818;141528,141605;146674,146808;153594,15
3641;156856,156906;159441,161050
35924 525,159528 335,761;62518,62648;90036,90154;102965,103124
;106992,107136;113266,113340;114290,114378;114525,114682;117938,118062;125446,12
5661;126879,126973;128126,128230;129123,129290;136872,136962;138061,138261;13850
6,138674;139697,139818;141528,141605;146674,146808;148978,149082;153594,153641;1
56856,156906;159441,159527
35924 525,159528 525,761;62518,62648;90036,90154;102965,103124
;106992,107136;113266,113340;114290,114378;114525,114682;117938,118062;125446,12
5661;126879,126973;128126,128230;129123,129290;129688,129864;136872,136962;13806
1,138261;138506,138674;139697,139818;141528,141593;144973,144989;146673,146808;1
48978,149082;153594,153641;156856,156906;159441,161050
35924 525,159528 525,761;62518,62648;90036,90154;102965,103124
;106992,107136;113266,113340;114290,114378;114525,114682;117938,118062;125446,12
5661;126879,126973;128126,128230;129123,129290;129688,129864;136872,136962;13806
1,138261;138506,138674;139697,139818;141528,141605;146674,146808;148978,149082;1
53594,153641;156856,156906;159441,161050
35924 525,159528 525,761;62518,62648;90036,90154;102965,103124
;106992,107136;113266,113340;114290,114378;114525,114682;117938,118062;125446,12
5661;126879,126973;128126,128230;129688,129864;136872,136962;138061,138261;13850
6,138674;139697,139818;141528,141605;146674,146808;148978,149082;153594,153641;1
56856,156906;159441,159527
35925 525,159528 1,103;505,761;62518,62648;90036,90154;102965,
103124;106992,107136;113266,113340;114290,114378;114525,114682;117938,118062;125
446,125661;126879,126973;128126,128230;129123,129290;129688,129864;136872,136962
;138061,138261;138506,138674;139697,139818;141528,141605;146674,146808;153594,15
3641;156856,156906;159441,161050
35925 525,159528 335,761;62518,62648;90036,90154;102965,103124
;106992,107136;113266,113340;114290,114378;114525,114682;117938,118062;125446,12
5661;126879,126973;128126,128230;129123,129290;136872,136962;138061,138261;13850
6,138674;139697,139818;141528,141605;146674,146808;148978,149082;153594,153641;1
56856,156906;159441,159527
35925 525,159528 525,761;62518,62648;90036,90154;102965,103124

;106992,107136;113266,113340;114290,114378;114525,114682;117938,118062;125446,125661;126879,126973;128126,128230;129123,129290;129688,129864;136872,136962;138061,138261;138506,138674;139697,139818;141528,141593;144973,144989;146673,146808;148978,149082;153594,153641;156856,156906;159441,161050

35925 525,159528 525,761;62518,62648;90036,90154;102965,103124

;106992,107136;113266,113340;114290,114378;114525,114682;117938,118062;125446,125661;126879,126973;128126,128230;129123,129290;129688,129864;136872,136962;138061,138261;138506,138674;139697,139818;141528,141605;146674,146808;148978,149082;153594,153641;156856,156906;159441,161050

35925 525,159528 525,761;62518,62648;90036,90154;102965,103124

;106992,107136;113266,113340;114290,114378;114525,114682;117938,118062;125446,125661;126879,126973;128126,128230;129688,129864;136872,136962;138061,138261;138506,138674;139697,139818;141528,141605;146674,146808;148978,149082;153594,153641;156856,156906;159441,159527

35926 363,11602 1,426;4773,4894;6094,6160;6261,6398;10118,10264;11327,12763

35926 363,11602 1,426;4773,4894;6094,6160;6261,6398;10118,10264;11327,12766

35926 363,11602 1,426;4773,4894;6094,6160;6261,6398;9832,9948;10118,10264;11327,12763

35926 363,11602 1,426;4773,4894;6094,6160;6261,6398;9832,9948;10118,10264;11327,12766

35927 2334,10894 1,256;999,1087;1462,1568;2330,2499;3854,4071;10711,12479

35927 2334,10894 1,256;999,1087;1462,1568;2330,2499;3854,4071;10711,12560;13833,14779

35927 62,10894 1,256;999,1087;2330,2499;3854,4071;10711,12560;13833,14778

35927 62,10894 1,256;999,1087;2330,2499;3854,4071;10711,12560;13833,14779

35928 378,35815 1,486;3467,3612;15754,15883;16623,16757;18181,18377;19282,19422;29414,29602;29851,29938;31414,31555;33734,33846;35720,36648

35928 378,35815 378,431;437,451;456,486;3467,3612;15754,15883;16623,16757;18181,18377;19282,19422;29414,29602;29851,29938;31414,31555;33734,33846;35720,36278

35929 94,42569 1,234;4404,4490;10798,10930;18894,19045;22170,22259;23074,23223;24873,24936;26320,26518;36010,36112;41244,41335;42409,42858

35929 94,42569 19,234;4404,4490;10798,10930;18894,19045;22170,22259;23074,23223;24873,24936;26320,26518;36010,36112;41244,41335;42409,42858

35930 112201,188926 111989,112254;149335,149481;153569,153971;156269,156346;161673,161818;168089,168350;170955,171095;178650,178693;178790,178871;180555,180692;181114,181209;185887,185967;188921,191300

35930 112201,188926 111989,112254;149335,149481;153569,153971;161673,161818;168089,168350;170955,171095;178650,178693;178790,178871;180555,180692;181114,181209;185887,185967;188921,191300

35930 112009,188926 111989,112254;149335,149481;153569,154658;156269,156346;161673,161818;168089,168350;170955,171095;178650,178693;178790,178871;180555,180692;181114,181209;185887,185967;188921,191300

35930 88314,188926 1,330;64464,64552;88273,88385;149335,149481;153569,153971;156269,156346;161673,161818;168089,168350;170955,171095;178650,178871;180555,180692;181114,181209;185887,185967;188921,191300

8693;178790,178871;180555,180692;181114,181209;185887,185967;188921,191300
35930 88314,188926 1,330;64464,64552;88273,88385;149335,149481
;153569,153971;161673,161818;168089,168350;170955,171095;178650,178693;178790,17
8871;180555,180692;181114,181209;185887,185967;188921,191300
35930 88314,188926 1,330;64465,64552;88274,88385;149335,149481
;153569,153971;156269,156346;161673,161818;168089,168350;170955,171095;178650,17
8693;178790,178871;180555,180692;181114,181209;185887,185967;188921,191300
35930 88314,188926 1,330;64465,64552;88274,88385;149335,149481
;153569,153971;161673,161818;168089,168350;170955,171095;178650,178693;178790,17
8871;180555,180692;181114,181209;185887,185967;188921,191300
35930 88314,188926 1,330;64465,64552;88274,88385;149335,149481
;153569,154658;156269,156346;161673,161818;168089,168350;170955,171095;178650,17
8693;178790,178871;180555,180692;181114,181209;185887,185967;188921,191300
35930 88314,188926 88314,88385;149335,149481;153569,154658;156
269,156346;161673,161818;168089,168350;170955,171095;178650,178693;178790,178871
;180555,180692;181114,181209;185887,185967;188921,191300
35931 112201,188926 111989,112254;149335,149481;153569,153971;
156269,156346;161673,161818;168089,168350;170955,171095;178650,178693;178790,178
871;180555,180692;181114,181209;185887,185967;188921,191300
35931 112201,188926 111989,112254;149335,149481;153569,153971;
161673,161818;168089,168350;170955,171095;178650,178693;178790,178871;180555,180
692;181114,181209;185887,185967;188921,191300
35931 112009,188926 111989,112254;149335,149481;153569,154658;
156269,156346;161673,161818;168089,168350;170955,171095;178650,178693;178790,178
871;180555,180692;181114,181209;185887,185967;188921,191300
35931 88314,188926 1,330;64464,64552;88273,88385;149335,149481
;153569,153971;156269,156346;161673,161818;168089,168350;170955,171095;178650,17
8693;178790,178871;180555,180692;181114,181209;185887,185967;188921,191300
35931 88314,188926 1,330;64464,64552;88273,88385;149335,149481
;153569,153971;161673,161818;168089,168350;170955,171095;178650,178693;178790,17
8871;180555,180692;181114,181209;185887,185967;188921,191300
35931 88314,188926 1,330;64465,64552;88274,88385;149335,149481
;153569,153971;156269,156346;161673,161818;168089,168350;170955,171095;178650,17
8693;178790,178871;180555,180692;181114,181209;185887,185967;188921,191300
35931 88314,188926 1,330;64465,64552;88274,88385;149335,149481
;153569,153971;161673,161818;168089,168350;170955,171095;178650,178693;178790,17
8871;180555,180692;181114,181209;185887,185967;188921,191300
35931 88314,188926 1,330;64465,64552;88274,88385;149335,149481
;153569,154658;156269,156346;161673,161818;168089,168350;170955,171095;178650,17
8693;178790,178871;180555,180692;181114,181209;185887,185967;188921,191300
35931 88314,188926 88314,88385;149335,149481;153569,154658;156
269,156346;161673,161818;168089,168350;170955,171095;178650,178693;178790,178871
;180555,180692;181114,181209;185887,185967;188921,191300
35932 112201,188926 111989,112254;149335,149481;153569,153971;
156269,156346;161673,161818;168089,168350;170955,171095;178650,178693;178790,178
871;180555,180692;181114,181209;185887,185967;188921,191300
35932 112201,188926 111989,112254;149335,149481;153569,153971;
161673,161818;168089,168350;170955,171095;178650,178693;178790,178871;180555,180
692;181114,181209;185887,185967;188921,191300
35932 112009,188926 111989,112254;149335,149481;153569,154658;

156269, 156346; 161673, 161818; 168089, 168350; 170955, 171095; 178650, 178693; 178790, 178
 871; 180555, 180692; 181114, 181209; 185887, 185967; 188921, 191300
 35932 88314, 188926 1, 330; 64464, 64552; 88273, 88385; 149335, 149481
 ; 153569, 153971; 156269, 156346; 161673, 161818; 168089, 168350; 170955, 171095; 178650, 17
 8693; 178790, 178871; 180555, 180692; 181114, 181209; 185887, 185967; 188921, 191300
 35932 88314, 188926 1, 330; 64464, 64552; 88273, 88385; 149335, 149481
 ; 153569, 153971; 161673, 161818; 168089, 168350; 170955, 171095; 178650, 178693; 178790, 17
 8871; 180555, 180692; 181114, 181209; 185887, 185967; 188921, 191300
 35932 88314, 188926 1, 330; 64465, 64552; 88274, 88385; 149335, 149481
 ; 153569, 153971; 156269, 156346; 161673, 161818; 168089, 168350; 170955, 171095; 178650, 17
 8693; 178790, 178871; 180555, 180692; 181114, 181209; 185887, 185967; 188921, 191300
 35932 88314, 188926 1, 330; 64465, 64552; 88274, 88385; 149335, 149481
 ; 153569, 153971; 161673, 161818; 168089, 168350; 170955, 171095; 178650, 178693; 178790, 17
 8871; 180555, 180692; 181114, 181209; 185887, 185967; 188921, 191300
 35932 88314, 188926 1, 330; 64465, 64552; 88274, 88385; 149335, 149481
 ; 153569, 154658; 156269, 156346; 161673, 161818; 168089, 168350; 170955, 171095; 178650, 17
 8693; 178790, 178871; 180555, 180692; 181114, 181209; 185887, 185967; 188921, 191300
 35932 88314, 188926 88314, 88385; 149335, 149481; 153569, 154658; 156
 269, 156346; 161673, 161818; 168089, 168350; 170955, 171095; 178650, 178693; 178790, 178871
 ; 180555, 180692; 181114, 181209; 185887, 185967; 188921, 191300
 35933 394, 3789 1, 468; 788, 967; 1053, 1164; 1378, 1525; 1603, 1704; 179
 8, 1994; 2077, 2273; 2386, 2566; 2728, 2802; 2953, 3143; 3237, 3407; 3546, 3878
 35933 394, 3789 300, 468; 1053, 1164; 1378, 1525; 1603, 1704; 1798, 1994
 ; 2077, 2273; 2386, 2566; 2728, 2802; 2953, 3143; 3237, 3407; 3546, 3878
 35933 394, 3789 300, 468; 788, 967; 1053, 1164; 1378, 1525; 1603, 1704; 1
 798, 1994; 2077, 2273; 2386, 2539; 2707, 2802; 2953, 3143; 3237, 3407; 3546, 3875
 35934 44, 10355 1, 79; 1681, 1794; 4277, 4383; 4962, 5097; 6349, 6452; 94
 92, 9657; 10301, 11131
 35934 44, 10355 1, 79; 1681, 1813; 4242, 4383; 4962, 5097; 6349, 6452; 94
 92, 9657; 10301, 11131
 35934 44, 10355 24, 79; 1681, 1789; 4170, 4171; 4274, 4383; 4962, 5097; 6
 349, 6452; 9492, 9657; 10301, 11133
 35935 11801, 13897 1090, 1215; 11780, 11968; 12092, 12203; 13634, 1522
 0
 35935 11801, 13897 1, 166; 11780, 11968; 12092, 12203; 13634, 15220
 35936 185, 78338 1, 250; 2199, 2256; 6287, 6379; 24155, 24257; 42173, 42
 275; 51663, 51743; 52811, 52870; 61155, 61266; 62735, 62869; 65053, 65200; 69281, 69427; 7114
 2, 71184; 73087, 73167; 74160, 74271; 74443, 74514; 78246, 78969
 35937 453, 10438 1, 127; 427, 865; 3734, 3858; 4421, 4587; 4917, 5016; 10
 409, 12396
 35937 453, 10438 1, 127; 427, 865; 3734, 3858; 4421, 4587; 4917, 5016; 10
 409, 12402
 35937 453, 10526 1, 127; 427, 865; 3734, 3858; 4421, 4587; 4917, 5016; 59
 95, 6065; 10409, 12396
 35937 453, 10526 1, 127; 427, 865; 3734, 3858; 4421, 4587; 4917, 5016; 59
 95, 6065; 10409, 12402
 35937 453, 4999 1, 127; 427, 865; 4917, 5016; 10409, 12396
 35937 453, 4999 1, 127; 427, 865; 4917, 5016; 10409, 12402
 35938 453, 10438 1, 127; 427, 865; 3734, 3858; 4421, 4587; 4917, 5016; 10
 409, 12396

35938	453,10438	1,127;427,865;3734,3858;4421,4587;4917,5016;10409,12402
35938	453,10526	1,127;427,865;3734,3858;4421,4587;4917,5016;5995,6065;10409,12396
35938	453,10526	1,127;427,865;3734,3858;4421,4587;4917,5016;5995,6065;10409,12402
35938	453,4999	1,127;427,865;4917,5016;10409,12396
35938	453,4999	1,127;427,865;4917,5016;10409,12402
35939	69,7363	1,112;6971,7044;7142,7170;7297,7410;10245,10306;12085,12190;12332,13385
35939	69,12409	1,112;6971,7044;7142,7255;10245,10306;12085,12190;12332,13385
35939	69,12409	1,112;6971,7044;7297,7410;10245,10306;12085,12190;12332,13385
35939	69,7363	48,112;6971,7044;7142,7170;7297,7410;10245,10306;12085,12190;12332,13296
35940	74,1955	1,358;1212,1278;1460,1520;1825,1969;2323,2699
35940	74,1955	74,358;1212,1278;1460,1520;1825,1969;2323,2702
35941	340,52171	1,456;18019,18176;32782,32929;34178,34366;37355,37446;37973,38092;39570,39739;43898,44016;45407,45480;47582,47633;50500,50658;52132,55142
35942	340,52171	1,456;18019,18176;32782,32929;34178,34366;37355,37446;37973,38092;39570,39739;43898,44016;45407,45480;47582,47633;50500,50658;52132,55142
35943	136,4641	1,555;3110,3192;3384,3540;3843,4004;4115,4240;4386,4765
35943	85,4641	1,555;3110,3192;3384,3540;3843,4004;4115,4240;4386,4765
35943	3122,3931	90,555;3110,3192;3384,3540;3843,3899;3904,3930
35944	38,113940	1,100;40945,41080;41289,41333;46561,46670;46770,46828;47114,47274;49189,49317;49581,49835;49921,50040;51804,51935;52098,52242;52337,52488;52578,52727;55753,55916;56420,56599;56696,56892;57001,57148;58134,58261;58592,58678;58764,58822;59002,59069;60603,60743;608
35944	40927,113940	40926,41080;41289,41333;46561,46670;46770,46828;47114,47274;49189,49317;49581,49835;49921,50040;51804,51935;52098,52242;52337,52488;52578,52727;55753,55916;56420,56599;56696,56892;57001,57148;58134,58261;58592,58678;58764,58822;59002,59069;60603,60743;608
35944	40945,49830	40944,41080;41289,41337;47118,47274;49189,49317;49581,49835;49921,50022
35945	200,76664	1,382;37951,38075;39893,39972;41537,41792;45186,45302;46467,46677;47341,47534;48009,48097;48807,48925;52053,52151;52402,52463;57194,57354;57533,57676;59435,59550;59676,59865;59959,60042;60140,60219;60373,60450;60538,60640;61897,62070;63436,63534;63633,63743;63837,63935;70387,70512;76503,76664
35945	200,76664	54,382;37951,38075;39893,39972;41537,41792;43386,43517;45186,45302;46467,46677;47341,47534;48009,48097;48807,48925;52053,52151;52402,52463;57194,57354;57533,57676;59435,59550;59676,59865;59959,60042;60140,60219;60373,60450;60538,60640;61897,62070;63436,63534;63633,63743;63837,63935;70387,70512;76503,78686
35945	200,74291	54,382;37951,38075;39893,39972;41537,41792;433

86,43517;46467,46677;47341,47534;48009,48097;48807,48925;52053,52151;52402,52463
;57194,57354;57533,57676;59435,59550;59676,59865;59959,60042;60140,60219;60373,6
0450;60538,60640;61897,62070;63436,63534;63633,63743;63837,63935;70387,70512;741
84,74313;76503,78686

35946 47759,80641 1,245;26817,26875;39661,39767;47720,48137;55
306,55483;57033,57142;58051,58189;60267,60417;61695,61818;62065,62136;63443,6358
2;66004,66176;67849,67923;69608,69799;72153,72267;73517,73674;80484,82387

35946 47759,80641 1,245;26817,26875;47720,48137;55306,55483;57
033,57142;58051,58189;60267,60417;61695,61818;62065,62136;63443,63582;66004,6617
6;67849,67923;69608,69799;72153,72267;73517,73674;80484,82387

35947 47759,80641 1,245;26817,26875;39661,39767;47720,48137;55
306,55483;57033,57142;58051,58189;60267,60417;61695,61818;62065,62136;63443,6358
2;66004,66176;67849,67923;69608,69799;72153,72267;73517,73674;80484,82387

35947 47759,80641 1,245;26817,26875;47720,48137;55306,55483;57
033,57142;58051,58189;60267,60417;61695,61818;62065,62136;63443,63582;66004,6617
6;67849,67923;69608,69799;72153,72267;73517,73674;80484,82387

35948 1191,31023 1,114;1187,1330;2355,2458;3041,3232;4693,4869
;12285,12449;12691,12818;13838,13978;14732,14882;16616,16780;18088,18321;19723,1
9908;21105,21266;23790,24015;24126,24205;25232,25384;26439,26565;29118,29307;309
66,31108;31397,31570;32008,32190;32648,32880;33391,33574;34022,35316

35948 1191,34174 7,114;1187,1330;2280,2458;3041,3232;4693,4869
;12285,12449;12691,12818;13838,13978;14732,14882;16616,16780;18088,18321;19723,1
9908;21105,21266;23790,24015;24126,24205;25232,25384;26439,26565;29118,29307;309
64,31108;31397,31570;32008,32190;32648,32880;33391,33574;34022,35307

35948 1191,34174 7,114;1187,1330;2280,2458;3041,3232;4693,4869
;12285,12449;12691,12818;13838,13978;14732,14882;16616,16780;18088,18321;19723,1
9908;21105,21266;23790,24015;24126,24205;25232,25384;26439,26565;29118,29307;309
64,31108;31397,31570;32008,32190;32648,32880;33391,33574;34022,35316

35948 1191,34174 924,1330;2280,2458;3041,3232;4693,4869;12285,
12449;12691,12818;13838,13978;14732,14882;16616,16780;18088,18321;19723,19908;21
105,21266;23790,24015;24126,24205;25232,25384;26439,26565;29118,29307;30964,3110
8;31397,31570;32008,32190;32648,32880;33391,33574;34022,35307

35948 1191,34174 924,1330;2280,2458;3041,3232;4693,4869;12285,
12449;12691,12818;13838,13978;14732,14882;16616,16780;18088,18321;19723,19908;21
105,21266;23790,24015;24126,24205;25232,25384;26439,26565;29118,29307;30964,3110
8;31397,31570;32008,32190;32648,32880;33391,33574;34022,35316

35948 1191,34174 960,1330;2280,2458;3041,3232;4693,4869;12285,
12449;12691,12818;13838,13978;14732,14882;16616,16780;18088,18321;19723,19908;21
105,21266;23790,24015;24126,24205;25232,25384;26439,26565;29118,29307;30964,3110
8;32008,32190;32648,32880;33391,33574;34022,35307

35949 11206,12355 1,191;11191,14085

35950 193,133521 102,211;107043,107158;118206,118354;120008,12
0109;128968,129016;133401,136122

35950 1,133521 1,211;107043,107158;118206,118354;120008,120109
;128968,129020;133408,133520

35951 193,133521 102,211;107043,107158;118206,118354;120008,12
0109;128968,129016;133401,136122

35951 1,133521 1,211;107043,107158;118206,118354;120008,120109
;128968,129020;133408,133520

35952 113,2179 113,203;390,424;470,590;721,813;1952,3087

35952	113,2179	1,263;390,590;1952,3090
35952	113,2179	1,263;390,590;721,813;1952,3090
35952	113,2179	39,203;396,424;467,590;721,813;1952,3087
35952	113,737	39,263;390,543;721,813;1952,3087
35952	113,2179	39,263;390,590;1952,3087
35952	113,2179	39,263;390,590;721,813;1952,3087
35952	113,317	39,590;1952,3087
35953	270,2590	1,577;1266,3824
35954	147,7738	1,334;3969,4129;5634,5806;7594,8087
35955	10801,29862	1,132;10787,10855;11341,11662;14114,14190;17 528,17671;19132,19207;19941,19976;20913,21001;21767,21846;22815,22879;25497,2559 8;27103,27243;28366,28422;29470,29582;29764,30989
35955	10801,29862	1,132;10787,10855;11341,11662;14114,14190;17 528,17671;19132,19207;19941,19980;20917,21001;21767,21846;22815,22879;25497,2559 8;27103,27243;28366,28422;29470,29582;29764,30989
35955	21,29862	1,132;11341,11662;14114,14190;17528,17671;19132 ,19207;19941,19980;20917,21001;21767,21846;22815,22879;25497,25598;27103,27243;2 8366,28422;29470,29582;29764,30989
35956	132,8951	1,206;3333,3424;4270,4362;4773,4870;5430,5510;7 521,7612;8507,9504
35957	256,25404	1,353;10806,10933;11131,11176;12051,12145;1947 6,19546;19692,19832;20136,20167;20510,20604;22385,22468;25339,26527
35957	256,25404	83,353;10806,10933;11131,11176;12051,12145;194 76,19546;19692,19832;20136,20167;20510,20604;22385,22468;25339,26527
35958	62,5366	1,111;433,545;748,915;2400,2468;2752,2831;3272,3 398;3972,4058;4174,4323;4585,4737;4821,4982;5169,5554
35958	62,5366	1,111;433,545;748,915;2400,2468;2752,2831;3272,3 398;3972,4058;4174,4323;4585,4737;4821,4982;5169,5556
35959	193376,205091	1,84;106727,107232;107909,108121;136517,13 6621;154363,154405;158686,158761;162046,162264;163648,163735;168107,168259;16878 5,168882;172760,172932;177958,178130;193100,193414;195645,195767;197592,197690;1 99508,199588;204983,205095;222628,223876
35959	185102,193568	185102,185122;186451,186552;192845,192898; 193100,193567
35959	106741,205091	42,71;106727,107232;107909,108121;136517,1 36621;154363,154405;158686,158761;162046,162264;163648,163735;168107,168259;1687 85,168882;172760,172932;177958,178130;183020,183082;184976,185122;193100,193663; 195645,195767;197592,197690;199508,199588;204983,205095;222628,223876
35959	106741,205091	44,71;106727,107232;107909,108121;136517,1 36621;154363,154405;158686,158761;162046,162264;163648,163735;168107,168259;1687 85,168882;172760,172932;177958,178130;183020,183082;184976,185122;193100,193663; 195645,195767;197592,197690;199508,199588;204983,205095;222628,223876
35960	193376,205091	1,84;106727,107232;107909,108121;136517,13 6621;154363,154405;158686,158761;162046,162264;163648,163735;168107,168259;16878 5,168882;172760,172932;177958,178130;193100,193414;195645,195767;197592,197690;1 99508,199588;204983,205095;222628,223876
35960	185102,193568	185102,185122;186451,186552;192845,192898; 193100,193567
35960	106741,205091	42,71;106727,107232;107909,108121;136517,1 36621;154363,154405;158686,158761;162046,162264;163648,163735;168107,168259;1687

85,168882;172760,172932;177958,178130;183020,183082;184976,185122;193100,193663;
 195645,195767;197592,197690;199508,199588;204983,205095;222628,223876
 35960 106741,205091 44,71;106727,107232;107909,108121;136517,1
 36621;154363,154405;158686,158761;162046,162264;163648,163735;168107,168259;1687
 85,168882;172760,172932;177958,178130;183020,183082;184976,185122;193100,193663;
 195645,195767;197592,197690;199508,199588;204983,205095;222628,223876
 35961 31,55139 1,170;8997,9171;22960,23126;28760,28967;32385,3
 2555;34542,34659;36381,36561;37550,37689;48266,48364;48878,49012;54993,57199
 35961 31,55139 6,170;8997,9171;22960,23126;28760,28967;32385,3
 2555;34542,34659;36381,36561;37550,37689;48266,48364;48878,49012;54993,57199
 35962 453227,481560 1,37;183038,183073;295707,295738;453208,45
 3398;463856,463959;471164,471317;477252,477477;481235,482767
 35962 453227,481560 439397,439547;453211,453398;463856,463959;
 471164,471317;477252,477477;481235,486468
 35963 15358,99495 1,493;15343,15518;59480,59637;67088,67187;68
 473,68660;69960,70082;71544,71750;75042,75122;76619,77164;83428,83614;86298,8669
 6;92509,92725;97222,97297;99337,100435
 35963 15358,99427 1,493;15343,15518;59480,59637;67088,67187;68
 473,68660;69960,70082;71544,71750;75042,75122;76619,77164;83428,83614;86298,8669
 6;92509,92725;99337,100414
 35963 15358,99427 1,493;15343,15518;59480,59637;67088,67187;68
 473,68660;69960,70082;71544,71750;75042,75122;76619,77164;83428,83614;86298,8669
 6;92509,92725;99337,100435
 35963 59493,99495 423,493;15343,15518;59480,59637;67088,67187;
 68473,68660;69960,70082;71544,71750;75042,75122;76619,77164;83428,83614;86298,86
 696;92509,92725;97222,97297;99337,99616
 35964 1,79973 1,206;24087,24183;25048,25121;28089,28232;33283,
 33355;36621,36789;37831,38020;40371,40432;41042,41074;43582,43633;47073,47131;48
 348,48428;48673,48741;48822,48896;49696,49830;51847,51966;53391,53491;56428,5656
 5;57622,57826;60722,60791;61777,61958;63559,63693;70024,70113;72679,72811;76182,
 76317;79883,81668
 35964 187,79973 5,206;24087,24183;25048,25121;28089,28232;3328
 3,33355;36621,36789;37831,38020;40371,40432;41042,41074;43582,43633;47073,47131;
 48348,48428;48673,48741;48822,48896;49696,49830;51847,51966;53391,53491;56428,56
 565;57622,57826;60722,60791;61777,61958;63559,63693;70024,70113;72679,72811;7618
 2,76317;79883,81668
 35965 260,2333 1,291;1212,1375;1789,1890;2289,2741
 35965 260,2333 1,291;1212,1375;1789,1890;2289,2743
 35966 13756,19146 13737,13823;13934,13999;15190,15287;15500,15
 649;16753,16878;17014,17133;18979,19226
 35966 13756,19146 13745,13823;13934,13999;15190,15287;15500,15
 649;16753,16878;17014,17133;18979,19226
 35966 606,6294 1,461;571,651;6136,6408;15190,15649;16753,16878
 ;17014,17133;18979,19226
 35967 91,1823 1,284;701,885;1255,1427;1628,3734
 35968 121,1337 1,123;212,1456
 35968 121,1337 5,123;212,1456
 35969 2539,7354 1,120;2518,3400;7199,7962
 35969 2539,7354 1,120;2518,3400;7199,7967
 35970 131,10792 1,155;1804,1881;3912,4090;5846,5941;6874,6978;

8543,8668;8924,9074;9279,9400;10621,12651
35970 29,10792 1,155;1804,1881;3912,4090;5846,5941;6874,6978;8
543,8668;8924,9074;9279,9400;10621,12651
35970 5858,10792 1,545;1804,1881;3912,4090;5846,5941;6874,6978
;8543,8668;8924,9074;9279,9400;10621,12651
35970 131,10792 89,155;491,543;1809,1881;3912,4090;5846,5941;6
874,6978;8543,8668;8924,9074;9279,9400;10621,12651
35971 127,46398 1,168;7340,7424;10779,10844;12102,12265;17278,
17401;20020,20086;24366,24457;42871,43073;45074,45313;46308,46630
35971 127,46398 43,168;17278,17401;20020,20086;24366,24457;428
71,43073;45074,45313;46308,46630
35972 99,26952 1,111;8669,8837;17770,18014;18175,18306;22759,2
2859;24637,24809;25823,25933;26054,26161;26789,28453
35973 75,15658 1,158;7121,7305;9120,9242;9985,10137;11358,1146
5;12615,12707;13157,13282;15495,16701
35974 28,4021 1,215;1074,1137;1630,1789;1881,2021;2475,2524;30
00,3053;3925,4669
35975 254,6133 1,319;1746,1868;1955,2075;3451,3579;4748,4907;5
019,5120;5614,5731;5986,6423
35975 254,6133 1,319;1746,1868;1955,2075;3451,3583;4752,4907;5
019,5120;5614,5731;5986,6423
35975 254,6133 1,319;671,748;1746,1868;1955,2075;3451,3579;474
8,4907;5019,5120;5614,5731;5986,6425
35975 254,6133 1,319;671,748;1746,1868;1955,2075;3451,3583;475
2,4907;5019,5120;5614,5731;5986,6425
35976 20520,35606 1,365;6022,6159;20425,20621;24349,24522;2525
6,25428;27782,27916;29425,29506;29909,29983;30954,31116;34236,34351;34686,34900;
35494,37767
35976 20520,35606 25,365;6022,6159;14028,14173;20425,20621;243
49,24522;25256,25428;27782,27916;29425,29506;29909,29983;30954,31116;34236,34351
;34686,34900;35494,36349
35976 20520,35606 25,365;6022,6159;20425,20621;24349,24522;252
56,25428;27782,27916;29425,29506;29909,29983;30954,31116;34236,34351;34686,34900
;35494,36349
35977 26995,39587 1,165;2166,2340;26990,27102;28882,28974;3647
9,40645
35977 26995,39587 1,165;26990,27102;28882,28974;36479,40645
35978 33310,148388 1,637;1209,1310;33295,33424;39800,39880;593
13,59438;82757,82844;89356,89446;99262,99367;108418,108511;147340,147420;148024,
149420
35978 33310,148388 1,637;33295,33424;39800,39880;59313,59438;8
2757,82844;89356,89446;99262,99367;108418,108511;147340,147420;148024,149420
35978 33310,89359 1,637;33295,33424;39800,39880;59313,59438;82
757,82854;89356,89446;99262,99367;108418,108511;147340,147420;148024,149420
35978 99364,148388 1,637;39800,39880;59313,59438;82757,82854;8
9356,89446;99262,99367;108418,108511;147340,147420;148024,149420
35978 99364,148388 1,637;59313,59438;82757,82854;89356,89446;9
9262,99367;108418,108511;147340,147420;148024,149420
35979 109,7944 1,208;3957,4136;6218,6406;6989,7165;7267,7408;7
739,8054

35980 147,55236 1,226;15844,15949;22705,22840;25009,25171;2842
7,28486;30225,30326;30923,31060;32362,32499;38391,38534;39317,39445;40563,40688;
44247,44366;45775,45906;47654,47777;55233,55873

35980 147,60428 1,226;15844,15949;22705,22840;25009,25171;2842
7,28486;30225,30326;30923,31060;32362,32499;38391,38534;39317,39445;40563,40688;
44247,44366;45775,45906;47654,47777;60074,60523

35980 147,97608 1,226;15844,15949;22705,22840;25009,25171;2842
7,28486;30225,30326;30923,31060;32362,32499;38391,38534;39317,39445;40563,40688;
44247,44366;45775,45906;47654,47777;62046,62153;62307,62317;63128,63135;71800,71
815;74139,74270;97469,98296

35980 147,62154 1,226;15844,15949;22705,22840;25009,25171;2842
7,28486;30225,30326;30923,31060;32362,32499;38391,38534;39317,39445;40563,40688;
44247,44366;45775,45906;47654,47777;62046,62863

35980 147,97608 1,226;15844,15949;22705,22840;25009,25171;2842
7,28486;30225,30326;30923,31060;32362,32499;38391,38534;39317,39445;40563,40688;
44247,44366;45775,45906;47654,47777;71673,71815;74139,74270;97469,98296

35981 3405,12983 1,44;623,747;3399,3502;4142,4364;6004,6094;69
17,7130;9274,9478;10414,10545;12518,13940

35981 3405,12983 4,67;623,747;3399,3502;4142,4364;6004,6094;69
17,7130;9274,9478;10414,10545;12518,13940

35982 3405,12983 1,44;623,747;3399,3502;4142,4364;6004,6094;69
17,7130;9274,9478;10414,10545;12518,13940

35982 3405,12983 4,67;623,747;3399,3502;4142,4364;6004,6094;69
17,7130;9274,9478;10414,10545;12518,13940

35983 305,9901 1,558;2186,2527;3079,3150;3269,3340;3449,3571;3
647,3724;4539,4616;4747,4824;4928,4981;5655,5764;5847,5986;6365,6449;6553,6697;6
794,6879;7147,7270;7494,7690;7782,7961;8198,8549;8631,8770;8892,8991;9234,10199

35984 575,10797 1,689;1056,1199;5725,5821;6542,6733;10466,1053
8;10683,10962

35985 1,33546 1,49;299,425;574,797;909,1018;1185,1347;1684,184
9;2004,2118;2253,2410;2616,2761;2901,3654;4476,4477;4571,5643;6107,6220;6556,666
6;7256,7360;8535,8716;8901,9065;9151,9260;9358,9405;10360,10581;10803,10922;1102
1,11134;11327,11457;11543,11690;11897,11962;12139,12249;12447,12584;12680,12764;
12995,13236;13335,13408;13620,13670;13790,15601;15708,15890;15967,16103;16336,18
200;20390,20513;20659,20743;20849,20915;21026,21258;21361,24150;24292,24432;2455
7,24724;24886,25045;25849,25924;26089,26264;26367,26497;27184,27316;27395,27522;
28003,29143;30379,30515;30617,30747;32450,32735;32972,33045;33174,33282;33453,33
545

35985 1,33546 1,49;299,425;574,797;909,1018;1185,1347;1684,184
9;2004,2118;2253,2410;2616,2761;2901,3664;4585,5643;6107,6220;6556,6666;7256,736
0;8535,8716;8901,9065;9151,9260;9358,9405;10360,10581;10803,10922;11021,11125;11
327,11457;11543,11690;11897,11962;12139,12249;12447,12584;12680,12764;12995,1323
6;13335,13408;13620,13670;13790,15601;15708,15890;15967,16103;16336,18200;20390,
20513;20659,20743;20849,20915;21026,21258;21361,24150;24292,24432;24557,24724;24
886,25045;25849,25924;26089,26264;26367,26497;27184,27316;27395,27522;28003,2914
3;30379,30515;30617,30747;32450,32735;32972,33045;33174,33282;33453,33545

35985 3383,33546 3383,4439;4535,5643;6107,6220;6556,6666;7256,
7360;8535,8716;8901,9065;9151,9260;9358,9405;10360,10581;10803,10922;11021,11125
;11327,11457;11543,11690;11897,11962;12139,12249;12447,12584;12680,12764;12995,1
3236;13335,13408;13620,13670;13790,15601;15708,15890;15967,16103;16336,18200;203

90,20513;20659,20743;20849,20915;21026,21258;21361,24150;24292,24432;24557,24724
 ;24886,25045;25849,25924;26089,26264;26367,26497;27184,27316;27395,27522;28003,2
 9143;30379,30515;30617,30747;32450,32735;32972,33045;33174,33282;33453,36348
 35985 49963,52427 36516,36593;42215,42263;49473,49582;49733,49
 863;49961,50019;50160,50205;50307,50361;50692,50818;51403,51568;51730,51767;5203
 5,52181;52319,53052
 35985 36585,52427 36516,36593;42215,42263;49473,49582;49782,49
 863;49961,50019;50160,50205;50307,50361;50692,50818;51403,51568;51730,51767;5203
 5,52181;52319,53050
 35985 36585,52427 36516,36593;42215,42263;49473,49582;49782,49
 863;49961,50019;50160,50205;50307,50361;50692,50818;51403,51568;51730,51767;5203
 5,52181;52319,53052
 35986 7,34470 1,99;13524,13663;13748,13793;16871,16965;17608,1
 7678;19126,19266;20245,20276;30292,30386;32764,32847;34406,35576
 35987 347,43225 1,537;2817,2929;11900,11980;16097,16226;20001,
 20050;34151,34281;34959,35076;35882,36001;36096,36152;40171,40282;41983,42064;43
 120,44060
 35987 347,43225 348,537;2817,2929;11900,11980;16097,16226;2000
 1,20050;34151,34281;34959,35076;35882,36001;36096,36152;40171,40282;41983,42064;
 43120,44062
 35988 335,965 11,178
 35988 335,965 21,178
 35989 289,12370 1,448;4346,4509;6009,6102;6385,6499;8582,8715;
 11978,12046;12293,13668
 35990 2242,10157 1,312;1360,2657;5972,6296;8039,8276;9894,1058
 9
 35990 2245,10157 2,312;1360,1462;2040,2657;5972,6296;8039,8276
 ;9894,10575
 35990 1449,10157 59,312;1360,1462;2253,2657;5972,6296;8039,827
 6;9894,12829
 35991 195,17303 1,271;4153,4260;4498,4738;5924,5989;7704,7767;
 9643,9744;10459,10659;15856,15900;17262,17708
 35991 195,17303 18,271;4153,4260;4498,4738;5924,5989;7704,7767
 ;9643,9744;10459,10659;15856,15900;17262,17708
 35992 107,1568 1,471;1197,1260;1379,1690
 35993 1867,56716 1718,1878;5521,5569;5737,6123;42054,42176;459
 23,46042;47046,47165;48723,48842;52665,52788;52873,53068;56554,57825
 35993 1867,56716 1718,1878;5521,5569;5737,6123;42054,42176;459
 23,46042;47046,47165;48723,48842;52665,52788;52873,53068;56554,57826
 35993 1348,56716 1,77;849,889;1341,1428;5521,5569;5737,6123;42
 054,42176;45923,46042;47046,47165;48723,48842;52665,52788;52873,53068;56554,5718
 4
 35993 1348,56716 21,77;1341,1428;5521,5569;5737,6123;42054,421
 76;45923,46042;47046,47165;48723,48842;52665,52788;52873,53068;56554,57176
 35993 1348,56716 745,821;828,889;1341,1428;5521,5569;5737,6123
 ;42054,42176;45923,46042;47046,47165;48723,48842;52665,52788;52873,53068;56554,5
 7825
 35993 1348,56716 745,883;1336,1428;5521,5569;5737,6123;42054,4
 2176;45923,46042;47046,47165;48723,48842;52665,52788;52873,53068;56554,57826
 35994 1867,56716 1718,1878;5521,5569;5737,6123;42054,42176;459

23,46042;47046,47165;48723,48842;52665,52788;52873,53068;56554,57825
 35994 1867,56716 1718,1878;5521,5569;5737,6123;42054,42176;459
 23,46042;47046,47165;48723,48842;52665,52788;52873,53068;56554,57826
 35994 1348,56716 1,77;849,889;1341,1428;5521,5569;5737,6123;42
 054,42176;45923,46042;47046,47165;48723,48842;52665,52788;52873,53068;56554,5718
 4
 35994 1348,56716 21,77;1341,1428;5521,5569;5737,6123;42054,421
 76;45923,46042;47046,47165;48723,48842;52665,52788;52873,53068;56554,57176
 35994 1348,56716 745,821;828,889;1341,1428;5521,5569;5737,6123
 ;42054,42176;45923,46042;47046,47165;48723,48842;52665,52788;52873,53068;56554,5
 7825
 35994 1348,56716 745,883;1336,1428;5521,5569;5737,6123;42054,4
 2176;45923,46042;47046,47165;48723,48842;52665,52788;52873,53068;56554,57826
 35995 8553,15806 1,381;8540,8575;8741,8913;9015,9169;9369,9533
 ;11413,11562;11916,12008;12546,12678;15072,15160;15740,15930
 35995 8553,15806 347,381;8540,8575;8741,8913;9015,9169;9369,95
 33;11413,11562;11916,12008;12546,12678;15072,15160;15740,15930
 35996 117,37402 118,196;10388,10590;10825,10875;11293,11406;12
 687,12767;13709,13762;14218,14271;15024,15077;15724,15777;15935,15988;16632,1668
 5;17115,17159;17297,17350;17812,17856;18515,18568;18989,19087;19666,19710;19862,
 19960;20169,20222;20352,20459;20674,20727;21320,21418;21753,21806;22026,22124;22
 793,22846;22964,23017;23328,23381;23894,23947;24302,24346;24913,25011;25098,2520
 5;25470,25523;27025,27078;27164,27217;27926,27979;28583,28676;33697,33770;34552,
 34849;35806,35993;36276,36518;37256,37676
 35996 117,37402 1,196;10388,10590;10825,10875;11293,11406;1268
 7,12767;13709,13762;14218,14271;15024,15077;15724,15777;15935,15988;16632,16685;
 17115,17159;17297,17350;17812,17856;18515,18568;18989,19087;19666,19710;19862,19
 960;20169,20222;20352,20459;20674,20727;21320,21418;21753,21806;22026,22124;2279
 3,22846;22964,23017;23328,23381;23894,23947;24302,24346;24913,25011;25098,25205;
 25470,25523;27025,27078;27164,27217;27926,27979;28583,28690;29039,29092;29362,29
 415;29610,29771;29885,29992;30978,31085;31834,31887;31973,32080;32565,32618;3312
 8,33235;33513,33566;33663,33770;34552,34849;35806,35993;36276,36518;37256,38374
 35997 86,16049 1,165;9013,9160;15800,16738
 35998 3706,122657 1,169;3693,4889;90377,90543;94332,94448;1037
 82,104060;105733,105877;108955,109085;121820,121977;122504,122733
 35998 3706,122657 1216,1334;3693,4889;90377,90543;94332,94448;
 103782,104060;105733,105877;108955,109085;121820,121977;122504,124978
 35998 3706,122657 1221,1334;3693,4889;90377,90543;94332,94448;
 103782,104060;105733,105877;108955,109085;121820,121977;122504,124978
 35998 3706,125182 1221,1334;3693,4889;90377,90543;94332,94448;
 103782,104060;105733,105877;108955,109085;121820,121977;125134,125181
 35999 188588,251248 1,449;36782,36851;175275,175362;188547,188
 691;189217,189324;219045,219190;223019,223277;226581,226713;227115,227256;228151
 ,228214;228324,228421;232371,232431;239995,240116;244250,244324;244635,244762;24
 6613,246778;249904,250005;251222,254739
 36000 188588,251248 1,449;36782,36851;175275,175362;188547,188
 691;189217,189324;219045,219190;223019,223277;226581,226713;227115,227256;228151
 ,228214;228324,228421;232371,232431;239995,240116;244250,244324;244635,244762;24
 6613,246778;249904,250005;251222,254739
 36001 188588,251248 1,449;36782,36851;175275,175362;188547,188

691;189217,189324;219045,219190;223019,223277;226581,226713;227115,227256;228151
 ,228214;228324,228421;232371,232431;239995,240116;244250,244324;244635,244762;24
 6613,246778;249904,250005;251222,254739

36002 6084,29245 1,86;6055,6187;7277,7362;9687,9784;10804,1092
 1;11775,11912;12047,12116;12640,12736;13911,14000;18965,19086;21604,21825;22846,
 22905;23005,23063;24693,24803;24887,25029;25150,25272;26662,26773;29198,30851

36002 6084,29245 6,91;6058,6187;7277,7362;9687,9784;10804,1092
 1;11775,11912;12047,12116;12640,12736;13911,14000;18965,19086;21604,21825;22846,
 22905;23005,23063;24693,24803;24887,25029;25150,25272;26662,26773;29198,30851

36003 314,108967 1,689;43742,43809;70495,70639;80946,81037;815
 26,81582;87158,87224;89069,89175;92238,92280;92781,92852;95852,95982;97783,97840
 ;106406,106666;107750,107862;108883,109157

36003 314,108967 1,689;43742,43809;70495,70639;80946,81038;815
 27,81582;87158,87224;89069,89175;92238,92280;92781,92852;95852,95982;97783,97840
 ;106406,106666;107750,107862;108883,109157

36004 70,53786 1,481;31815,32050;46633,46820;51126,51248;53361
 ,53465;53653,56595

36004 70,53786 6,481;31815,32050;46633,46820;51126,51248;53361
 ,53465;53653,56595

36005 60,4856 1,127;3937,4215;4843,4870;6120,6673

36005 60,4856 1,127;3937,4215;4843,4870;6121,6673

36006 136986,141954 136941,137083;137530,137578;137804,137905;
 138014,138088;138420,138626;139289,139376;139450,139649;139727,139817;139917,140
 012;141067,141210;141296,141440;141534,141677;141758,141841;141932,142006

36006 136986,141954 136947,137083;137530,137578;137804,137905;
 138014,138088;138420,138626;139289,139376;139450,139649;139727,139817;139917,140
 012;141067,141210;141296,141440;141534,141677;141758,141841;141932,142006

36006 1,169119 1,73;166871,166941;166943,167062;167065,167087;
 167982,168154;168379,168480;168802,169118

36007 4478,36973 1,375;4445,4688;18313,18425;24521,24734;25842
 ,25955;29841,29934;31238,31376;36778,37771

36007 4478,36973 3448,3668;4445,4688;18313,18425;24521,24734;2
 5842,25955;29841,29934;31238,31376;36778,37771

36007 4478,36973 3448,3668;4445,4688;25842,25955;29841,29934;3
 1238,31376;36778,37771

36007 4478,36973 3485,3668;4445,4688;29841,29934;31238,31376;3
 6778,37503

36007 4478,36973 4478,4688;18313,18425;36778,37771

36007 4478,36973 4478,4688;25842,25955;29841,29934;31238,31376
 ;36778,37771

36007 4478,36973 4478,4688;29841,29934;31238,31376;36778,37771

36007 4478,36795 4478,4688;36778,37771

36007 4478,24180 4478,4692;24170,24179

36008 489,3035 1,113;455,507;612,669;1127,1568;1936,2050;2141,
 2410;2698,2791;3031,3619

36008 489,3035 1,113;456,507;612,669;1127,1568;1936,2050;2141,
 2410;2698,2791;3031,3619

36008 489,3035 40,124;456,507;612,669;1127,1568;1936,2050;2141
 ,2410;2698,2791;3031,3630

36008 489,3067 40,124;456,507;612,669;1127,1568;1936,2079;2271

,2410;2698,2791;3031,3630

36009 176,8720 1,220;366,446;840,865;6972,7061;8053,8141;8592,9879

36009 176,8720 1,220;366,446;840,865;8053,8141;8592,9879

36009 6907,8720 5800,7061;8053,8141;8592,9879

36009 7045,8720 5800,7061;8053,8141;8592,9879

36010 10969,19131 1,330;10964,11053;15744,15863;16044,16195;17157,17352;17660,17859;18102,18174;18318,18404;19066,19223

36010 10969,19131 1,330;1611,1738;10964,11053;15744,15863;16044,16195;17157,17352;17660,17859;18102,18174;18318,18404;19066,19223

36011 46,10539 1,114;364,504;3810,3896;4886,5015;5235,5433;6023,6102;8199,8314;8548,8691;8826,8986;9099,9184;9515,9603;9956,10031;10474,10667

36012 299,119191 1,96;283,338;341,602;85381,85535;102895,102996;106150,106206;109731,109823;114033,114218;119066,122792

36012 523,119191 502,602;85381,85535;102895,102996;106150,106206;109731,109823;114033,114218;119066,122792

36012 523,119191 502,602;85381,85535;95435,95467;102895,102996;106150,106206;109731,109823;114033,114218;119066,122792

36013 12,25282 1,15;553,630;2465,2645;4034,4131;12988,13159;23476,23633;25181,25339

36014 2,42838 1,587;17921,17962;18075,18116;19171,19398;20969,21002;24817,24894;28206,28386;29025,29179;29345,29485;30682,30775;32861,32941;38376,38549;39781,39870;40027,40195;42785,43274

36014 18095,42838 5,587;17921,17962;18075,18116;19171,19398;20969,21002;24817,24894;28206,28386;29025,29179;29345,29485;30682,30775;32861,32941;38376,38549;39781,39870;40027,40195;42785,43274

36015 494,3840 1,91;484,1194;1833,2047;2318,2449;2581,2770;2855,2919;3099,3183;3343,3440;3531,3677;3778,4149

36015 494,3840 54,1194;1833,2047;2318,2449;2581,2770;2855,2919;3099,3183;3343,3440;3531,3677;3778,4146

36016 56,18821 1,297;4015,4132;7476,7592;11651,11773;14882,15012;16157,16191;18771,18884

36016 56,18821 14,297;4015,4132;7476,7592;11651,11773;14882,15012;16157,16191;18771,18883

36017 77,35608 1,183;3599,3745;6081,6191;7582,7831;9714,9879;10165,10310;11279,11429;13694,13835;17000,17141;18438,18545;19559,19714;23527,23655;24879,25040;28254,28389;30050,30205;31758,31897;35491,36808

36017 77,35608 1,183;3599,3745;6081,6191;7582,7831;9714,9879;10165,10310;11279,11429;13694,13835;17000,17141;18438,18545;19559,19714;23527,23655;24879,25040;28254,28389;30050,30205;31758,31897;35491,36814

36018 71,94901 1,109;15722,15868;18759,18840;18946,19028;23514,23613;24978,25088;25721,25822;27634,27702;36965,37047;80061,80126;85530,85610;94862,95164

36018 71,94901 71,109;15722,15868;18759,18840;18946,19028;23514,23613;24978,25088;25721,25822;27634,27702;36965,37047;80061,80126;85530,85610;94862,95164

36019 348,24900 1,480;5234,5320;5971,6041;17105,18242;22219,22479;23044,23208;23314,23412;23990,24112;24347,24422;24520,24697;24702,24899

36019 282,24740 1,480;5234,5320;5971,6041;17105,18242;22219,22479;23044,23208;23314,23412;23990,24112;24347,24422;24520,25203

36019 282, 24740 282, 480; 5234, 5320; 5971, 6041; 17105, 18242; 22219, 22479; 23044, 23208; 23314, 23412; 23990, 24112; 24347, 24422; 24520, 25203

36019 348, 24157 348, 480; 5234, 5320; 5971, 6041; 17105, 18242; 22219, 22479; 23044, 23208; 23314, 23412; 23990, 24422; 24520, 25200

36020 21815, 22229 10248, 11434; 16907, 17006; 17885, 18001; 18514, 18669; 19120, 19189; 19708, 19850; 20867, 23426

36020 17966, 20897 1, 185; 7577, 7674; 11368, 11434; 16907, 17006; 17885, 18001; 18514, 18669; 19120, 19189; 19708, 19850; 20867, 23426

36020 21815, 22229 17974, 18001; 18514, 18669; 19120, 19189; 19708, 19850; 20867, 23426

36021 1979, 3275 1, 49; 1588, 1681; 1803, 1859; 1973, 2086; 2340, 2465; 2653, 2783; 3045, 3105; 3110, 3120; 3220, 3327; 4308, 4385; 5537, 5620; 6612, 6772; 7167, 7206; 7315, 7416; 13729, 13896; 14409, 14554

36021 987, 14460 844, 992; 1588, 1681; 1771, 1859; 1973, 2086; 2340, 2465; 2653, 2783; 3045, 3120; 3220, 3327; 4308, 4385; 5537, 5620; 6612, 6772; 7167, 7206; 7315, 7416; 13729, 13896; 14409, 14556

36021 1588, 14460 898, 992; 1588, 1681; 1771, 1859; 1973, 2086; 2340, 2465; 2653, 2783; 3045, 3120; 3220, 3327; 4308, 4385; 5537, 5620; 6612, 6772; 7167, 7206; 7315, 7416; 13729, 13896; 14409, 15205

36021 957, 13817 929, 992; 1588, 1681; 1771, 1859; 1973, 2086; 2340, 2465; 2653, 2783; 3045, 3120; 3220, 3327; 4308, 4385; 5537, 5620; 6612, 6772; 7167, 7206; 7315, 7398; 7403, 7416; 13729, 13896; 14409, 14698

36022 15, 85849 1, 761; 6024, 6271; 41876, 42018; 42699, 42868; 43709, 44058; 44541, 44732; 48426, 48593; 52807, 52916; 60010, 60112; 63343, 63485; 64837, 65006; 66726, 67055; 70588, 70783; 72746, 72881; 76374, 76505; 77291, 77386; 77497, 77561; 82215, 82346; 82912, 83097; 83405, 83504; 85623, 89716

36023 15, 85849 1, 761; 6024, 6271; 41876, 42018; 42699, 42868; 43709, 44058; 44541, 44732; 48426, 48593; 52807, 52916; 60010, 60112; 63343, 63485; 64837, 65006; 66726, 67055; 70588, 70783; 72746, 72881; 76374, 76505; 77291, 77386; 77497, 77561; 82215, 82346; 82912, 83097; 83405, 83504; 85623, 89716

36024 15, 85849 1, 761; 6024, 6271; 41876, 42018; 42699, 42868; 43709, 44058; 44541, 44732; 48426, 48593; 52807, 52916; 60010, 60112; 63343, 63485; 64837, 65006; 66726, 67055; 70588, 70783; 72746, 72881; 76374, 76505; 77291, 77386; 77497, 77561; 82215, 82346; 82912, 83097; 83405, 83504; 85623, 89716

36025 117, 36032 1, 416; 4185, 4330; 8496, 8561; 11550, 11596; 11853, 11963; 20076, 20177; 28363, 28492; 30367, 30547; 31444, 31530; 33148, 33220; 33654, 33828; 35285, 35375; 35500, 35604; 35975, 36143

36025 117, 36032 43, 416; 4185, 4330; 8496, 8561; 11550, 11596; 11853, 11963; 20076, 20177; 28363, 28492; 30367, 30547; 31444, 31530; 33148, 33220; 33654, 33828; 35285, 35375; 35500, 35604; 35975, 36145

36026 57, 15861 1, 60; 806, 880; 1289, 1354; 2041, 2152; 2466, 2542; 2686, 2798; 4021, 4223; 6595, 6695; 7512, 7639; 8046, 8149; 11692, 11811; 12174, 12302; 12504, 12607; 12858, 12957; 14399, 14540; 15831, 16106

36027 57, 15861 1, 60; 806, 880; 1289, 1354; 2041, 2152; 2466, 2542; 2686, 2798; 4021, 4223; 6595, 6695; 7512, 7639; 8046, 8149; 11692, 11811; 12174, 12302; 12504, 12607; 12858, 12957; 14399, 14540; 15831, 16106

36028 48, 3450 1, 98; 230, 264; 1606, 1714; 2426, 2576; 2720, 2838; 2911, 2999; 3428, 3687

36028 48, 3450 5, 98; 230, 264; 1606, 1714; 2426, 2576; 2720, 2838; 2911, 2999; 3428, 3687

36029 29,25063 1,121;5669,5775;6936,7020;7181,7250;10069,10120
;16722,16777;17589,17624;18308,18399;19042,19109;22143,22222;23387,23505;25008,2
5628

36029 29,25063 29,40;45,121;5669,5775;6936,7020;7181,7250;1006
9,10120;16722,16777;17589,17624;18308,18399;19042,19109;22143,22222;23387,23505;
25008,26229

36030 146762,226429 114036,114390;139826,139916;144407,144610;
146586,146775;146863,146975;148074,148115;210170,210186;214071,214215;215736,215
840;219071,219124;220440,220490;226295,226475;231767,232445

36030 146762,231853 114036,114390;139826,139916;144407,144610;
146586,146775;146863,146975;148074,148115;210170,210186;214071,214215;215736,215
840;219071,219124;220440,220490;231767,232445

36030 146762,226429 114036,114390;139826,139916;144407,144610;
146586,146775;146863,146975;148074,148121;148123,148130;214071,214215;215736,215
840;219071,219124;220440,220490;226295,226475;231767,232445

36030 144,231853 1,435;68080,68210;73913,74031;76859,77018;783
33,78477;80148,80222;82024,82103;82773,82912;85949,86061;89114,89317;91999,92081
;93740,93865;100282,100464;139826,139916;144407,144610;146586,146775;146863,1469
75;148074,148115;162038,162054;214071,214215;215736,215840;219071,219124;220440,
220490;231767,239862

36030 144,226429 1,435;68080,68210;73913,74031;76859,77018;783
33,78477;80148,80222;82024,82103;82773,82912;85949,86061;89114,89317;91999,92081
;93740,93865;100282,100464;139826,139916;144407,144610;146586,146775;146863,1469
75;148074,148115;210170,210186;214071,214215;215736,215840;219071,219124;220440,
220490;226295,226475;231767,239862

36030 144,231853 1,435;68080,68210;73913,74031;76859,77018;783
33,78477;80148,80222;82024,82103;82773,82912;85949,86061;89114,89317;91999,92081
;93740,93865;100282,100464;139826,139916;144407,144610;146586,146775;146863,1469
75;148074,148115;210170,210186;214071,214215;215736,215840;219071,219124;220440,
220490;231767,239862

36030 146762,231853 1,435;68080,68210;73913,74031;76859,77018;
78333,78477;80148,80222;82024,82103;82773,82912;85949,86061;89114,89317;91999,92
081;93740,93865;100282,100464;139826,139916;144407,144610;146586,146775;146863,1
46975;148074,148121;148123,148130;214071,214215;215736,215840;219071,219124;2204
40,220490;231767,239862

36030 144,82911 21,435;68080,68210;73913,74031;76859,77018;783
33,78477;80148,80222;82024,82103;82773,82912;89114,89528

36031 146762,226429 114036,114390;139826,139916;144407,144610;
146586,146775;146863,146975;148074,148115;210170,210186;214071,214215;215736,215
840;219071,219124;220440,220490;226295,226475;231767,232445

36031 146762,231853 114036,114390;139826,139916;144407,144610;
146586,146775;146863,146975;148074,148115;210170,210186;214071,214215;215736,215
840;219071,219124;220440,220490;231767,232445

36031 146762,226429 114036,114390;139826,139916;144407,144610;
146586,146775;146863,146975;148074,148121;148123,148130;214071,214215;215736,215
840;219071,219124;220440,220490;226295,226475;231767,232445

36031 144,231853 1,435;68080,68210;73913,74031;76859,77018;783
33,78477;80148,80222;82024,82103;82773,82912;85949,86061;89114,89317;91999,92081
;93740,93865;100282,100464;139826,139916;144407,144610;146586,146775;146863,1469
75;148074,148115;162038,162054;214071,214215;215736,215840;219071,219124;220440,

220490;231767,239862

36031 144,226429 1,435;68080,68210;73913,74031;76859,77018;783
33,78477;80148,80222;82024,82103;82773,82912;85949,86061;89114,89317;91999,92081
;93740,93865;100282,100464;139826,139916;144407,144610;146586,146775;146863,1469
75;148074,148115;210170,210186;214071,214215;215736,215840;219071,219124;220440,
220490;226295,226475;231767,239862

36031 144,231853 1,435;68080,68210;73913,74031;76859,77018;783
33,78477;80148,80222;82024,82103;82773,82912;85949,86061;89114,89317;91999,92081
;93740,93865;100282,100464;139826,139916;144407,144610;146586,146775;146863,1469
75;148074,148115;210170,210186;214071,214215;215736,215840;219071,219124;220440,
220490;231767,239862

36031 146762,231853 1,435;68080,68210;73913,74031;76859,77018;
78333,78477;80148,80222;82024,82103;82773,82912;85949,86061;89114,89317;91999,92
081;93740,93865;100282,100464;139826,139916;144407,144610;146586,146775;146863,1
46975;148074,148121;148123,148130;214071,214215;215736,215840;219071,219124;2204
40,220490;231767,239862

36031 144,82911 21,435;68080,68210;73913,74031;76859,77018;783
33,78477;80148,80222;82024,82103;82773,82912;89114,89528

36032 7905,15506 1,49;5339,5523;7882,7994;11384,11655;13654,13
789;14203,14306;15154,17448

36032 7905,15506 1,49;5339,5523;7882,7994;11384,11655;13654,13
789;14203,14306;15154,17450

36032 7905,15506 32,192;5339,5523;7882,7994;11384,11655;13654,
13789;14203,14306;15154,17448

36032 7905,15506 32,192;5339,5523;7882,7994;11384,11655;13654,
13789;14203,14306;15154,17450

36032 11507,15506 32,192;5339,5523;7882,7994;8814,8956;11384,1
1655;13654,13789;14203,14306;15154,17450

36032 11507,15506 43,192;5339,5523;7882,7994;8814,8956;11384,1
1655;13654,13789;14203,14306;15154,16499

36033 22548,68938 1,146;22516,22742;37331,37445;42071,42135;45
629,45730;49079,49178;49400,49578;52187,52219;52348,52399;52908,52981;55586,5566
3;57612,57746;59306,59440;60076,60171;61137,61209;62807,62895;63539,63655;65562,
65705;68142,68243;68356,68427;68797,70466

36033 22548,68938 13803,13902;22516,22742;37331,37445;42071,42
135;45629,45730;49079,49178;49400,49578;52187,52219;52348,52399;52908,52981;5558
6,55663;57612,57746;59306,59440;60076,60171;61137,61209;62807,62895;63539,63655;
65562,65705;68142,68243;68356,68427;68797,69039

36034 213,66400 1,459;36150,36312;36667,36813;38382,38507;4155
4,41744;42959,43113;45410,45525;55242,55377;58394,58577;61057,61191;66311,66968

36034 30227,66400 30228,30485;36150,36312;36667,36812;38384,38
507;41554,41744;42959,43113;45410,45525;55242,55377;58394,58577;61057,61191;6631
1,66968

36035 31693,62367 1,53;31681,31775;33990,34118;37164,37378;376
36,37773;39172,39323;41653,41815;42672,42780;47812,47934;48030,48144;48816,48879
;51183,51386;56523,56617;58294,58465;62275,64989

36035 31693,62367 1,53;31681,31775;33990,34118;37164,37378;376
36,37773;39172,39323;41653,41815;42672,42780;47812,47934;48030,48144;48816,48879
;51183,51386;56523,56617;58294,58465;62275,64994

36036 98,14916 1,129;738,852;1567,1684;4308,4455;5739,5897;614

6,6231;6335,6431;9416,9558;10397,10555;10651,10743;13355,13514;14678,16308
36037 2,224068 1,146;35377,35427;52951,53071;62472,62590;64461
,64543;64808,64922;122306,122438;223965,226841
36037 35427,224068 7,146;35377,35427;52951,53071;62472,62590;6
4461,64543;64808,64922;122306,122438;223965,226843
36037 380,224068 7,146;377,488;35377,35427;52951,53071;62472,6
2590;64461,64543;64808,64922;122306,122438;223965,226841
36037 380,224068 7,146;377,488;35377,35427;52951,53071;62472,6
2590;64461,64543;64808,64922;122306,122438;223965,226843
36038 276,30102 1,291;23881,24078;25674,25818;30098,33211
36039 315,40760 1,440;7737,7824;15831,15904;16857,16961;17462,
17510;18070,18125;18681,18768;18910,19034;20294,20398;20621,20766;21450,21598;22
250,22443;23514,23582;25009,25215;27717,27860;33252,33440;34031,34148;35001,3506
2;35157,35266;36329,36430;37726,37786;37901,37972;38132,38236;38929,39145;40629,
40779;44772,45145
36039 315,40760 1,440;7737,7824;15831,15904;16857,16961;17462,
17510;18070,18125;18681,18768;18910,19034;20294,20398;20621,20766;21450,21598;22
250,22443;23514,23582;25009,25215;27717,27860;33252,33440;34031,34148;35001,3506
6;35161,35266;36329,36430;37726,37786;37901,37972;38132,38236;38929,39145;40629,
40779;44772,45145
36040 581,4213 1,1023;1825,1993;2092,2253;2707,2838;2967,3081;
3638,3808;4142,4234;4604,4708;5388,5940;6075,7060
36040 581,4213 1,1023;1825,1993;2092,2253;2707,2838;2967,3081;
3638,3808;4142,4234;5388,5940;6075,7060
36040 938,4213 405,1023;1825,1993;2092,2253;2707,2838;2967,308
1;4142,4234;5388,5642
36041 774,312109 1,1735;274619,274712;276269,276376;281471,281
590;289223,289355;292026,292144;293290,293385;298859,298948;304443,304603;306927
,307098;311923,312453
36041 774,312109 774,1735;274619,274712;276269,276376;281471,2
81590;289223,289355;292026,292144;293290,293385;298859,298948;304443,304603;3069
27,307098;311923,312108
36042 63,4703 1,279;3710,3825;4571,5358
36042 141,4703 140,279;3710,3825;4571,5358
36043 398,30036 1,413;11029,11195;16288,16416;18001,18117;1945
5,19602;21555,21730;22283,22412;26521,26591;28531,28685;29951,30377
36043 398,30036 350,413;11029,11195;16288,16416;18001,18117;19
455,19602;21555,21730;22283,22412;26521,26591;28531,28685;29951,30377
36044 152,49996 1,233;28287,28446;28703,28830;29042,29112;2991
2,30069;30286,30321;30627,30867;34322,34461;34813,34910;36512,36621;36743,36873;
38014,38118;38481,38591;38681,38794;39120,39242;40124,40310;48583,48857;49615,49
751;49835,50534
36045 152,10135 1,176;4062,4139;7046,7224;7629,7724;7937,8041;
8173,8298;9098,9248;9386,9507;9967,10549
36045 152,10135 1,176;4062,4139;7046,7224;7629,7724;7937,8041;
8173,8298;9098,9248;9386,9507;9967,10557
36045 9433,17952 9225,9248;9386,9507;14856,17951
36046 12164,148739 1,304;12135,12700;13646,13735;18637,18753;2
9241,29436;31268,31407;34497,34590;48699,48797;76126,76194;102281,102470;111245,
111411;136805,136948;138567,138695;140745,140827;148601,149881

36046 12164,148739 1,304;12135,12700;13646,13735;18637,18753;2
9241,29436;31268,31407;34497,34590;76063,76194;102281,102470;111245,111411;13680
5,136948;138567,138695;140745,140827;148601,149881

36046 12164,148739 1,304;677,773;8142,8197;12135,12700;13646,1
3735;18637,18753;29241,29436;31268,31407;34497,34590;76063,76194;102281,102470;1
11245,111411;136805,136948;138567,138695;140745,140827;148601,149881

36046 12164,148739 675,773;12135,12700;13646,13735;18637,18753
;29241,29436;31268,31407;34497,34590;76063,76194;102281,102470;111245,111411;136
805,136948;138567,138695;140745,140827;148601,149873

36047 297,28969 1,339;5345,5508;8766,8874;9186,9368;9722,9869;
10804,10859;14491,14669;15136,15310;16146,16300;17765,17855;18670,18723;19727,19
882;21581,21722;23680,23747;25683,25867;27034,27223;28934,29150

36047 297,28969 259,339;5345,5508;8766,8874;9186,9368;9722,986
9;10804,10859;14491,14669;15136,15310;16146,16300;17765,17855;18670,18723;19727,
19882;21581,21722;23680,23747;25683,25867;27034,27223;28934,29157

36048 148,1936 11,179;888,1051;1198,1299;1892,2751

36048 148,1936 1,179;888,1051;1198,1299;1892,2751

36049 1348,3355 1,79;1336,1459;1546,1757;1874,1928;2024,2184;2
303,2386;2639,2813;2946,3145;3259,3754

36049 1348,3355 36,79;1336,1459;1546,1757;1874,1928;2024,2184;
2303,2386;2639,2813;2946,3145;3259,3759

36050 518,6608 1,610;3880,4175;6044,6109;6271,6321;6496,7397

36050 518,6608 414,610;3880,4175;6044,6109;6271,6321;6496,7449

36050 518,6608 414,610;3880,4175;6271,6321;6496,7449

36051 10,8073 1,62;960,1076;1970,2114;7908,8896

36052 28964,90652 1,358;27466,27580;28913,29034;30420,30546;30
714,30884;37862,38064;40159,40588;46242,46412;52714,52898;53152,53338;53426,5350
7;53776,53837;55457,55560;56309,56424;56505,58425;68566,68731;71621,71729;71842,
72082;78364,78418;79465,79512;83905,83963;86265,86401;89646,89716;90574,91977

36052 28964,90652 1,358;27466,27580;28913,29034;30420,30546;30
714,30884;37862,38064;40159,40588;46242,46412;52714,52898;53152,53338;53426,5350
7;53776,53837;55457,55560;56309,56435;56525,58425;68566,68731;71621,71729;71842,
72082;78364,78418;79465,79512;83905,83963;86265,86401;89646,89716;90574,91974

36053 315,44308 13,858;5936,6013;43985,47514

36053 315,44308 1,858;5936,6013;43985,47510

36054 315,44308 13,858;5936,6013;43985,47514

36054 315,44308 1,858;5936,6013;43985,47510

36055 122,4567 1,206;408,606;814,940;2118,2218;2877,3010;3354,
3462;3542,3605;3884,3970;4051,4148;4497,4800

36055 122,4567 1,206;408,606;814,940;2118,2218;2877,3031;3354,
3462;3542,3605;3884,3970;4051,4148;4497,4800

36056 64,6046 1,132;309,352;497,562;708,774;5053,7995

36056 64,6046 1,132;309,352;497,562;708,774;5053,8009

36057 64,6046 1,132;309,352;497,562;708,774;5053,7995

36057 64,6046 1,132;309,352;497,562;708,774;5053,8009

36058 30481,174354 1,64;30461,30544;101057,101187;139528,13961
6;147301,147365;151389,151446;152173,152243;154601,154707;155356,155534;155769,1
55797;157163,157249;158172,158258;162386,162440;165321,165439;166545,168080;1699
19,170068;173321,173386;174277,176200

36058 30508,174354 2,64;30461,30544;101057,101187;139528,13961

6;147301,147365;151389,151446;152173,152243;154601,154707;155356,155534;155769,155797;157163,157249;158172,158258;162386,162440;165321,165439;166545,168080;169919,170068;173321,173386;174277,176200

36059 18364,87945 1,172;18359,18492;47500,47607;50888,50987;53611,53705;60928,61059;62865,62953;63296,63395;65192,65355;72813,72891;77634,77759;81141,81268;87213,87391;87757,88159

36059 18364,87945 131,172;18359,18492;47500,47607;50888,50987;53611,53705;60928,61059;62865,62953;63296,63395;65192,65355;72813,72891;77634,77759;81141,81268;87213,87391;87757,88643;88674,88718;88769,89249

36060 18364,87945 1,172;18359,18492;47500,47607;50888,50987;53611,53705;60928,61059;62865,62953;63296,63395;65192,65355;72813,72891;77634,77759;81141,81268;87213,87391;87757,88159

36060 18364,87945 131,172;18359,18492;47500,47607;50888,50987;53611,53705;60928,61059;62865,62953;63296,63395;65192,65355;72813,72891;77634,77759;81141,81268;87213,87391;87757,88643;88674,88718;88769,89249

36061 18364,87945 1,172;18359,18492;47500,47607;50888,50987;53611,53705;60928,61059;62865,62953;63296,63395;65192,65355;72813,72891;77634,77759;81141,81268;87213,87391;87757,88159

36061 18364,87945 131,172;18359,18492;47500,47607;50888,50987;53611,53705;60928,61059;62865,62953;63296,63395;65192,65355;72813,72891;77634,77759;81141,81268;87213,87391;87757,88643;88674,88718;88769,89249

36062 49485,54226 1,163;6100,6137;6874,7105;27597,27764;29532,29637;30955,31117;34176,34229;34320,34379;35344,35425;35792,35946;38701,38757;41290,41358;43373,43450;44524,44586;45896,45983;46300,46448;47384,47549;48092,48166;49441,49613;54098,54136;54139,54225

36062 94,56867 49,163;6100,6137;6874,7105;27597,27764;29532,29637;30955,31117;34176,34229;34320,34379;35344,35425;35792,35946;38701,38757;41290,41358;43373,43450;44524,44586;45896,45983;46300,46448;47384,47549;48092,48166;49441,49613;54098,54226;56657,59705;59716,62289

36062 94,56867 49,163;6100,6137;6874,7105;27597,27764;29532,29637;30955,31117;34176,34229;34320,34379;35344,35425;35792,35946;38701,38757;41290,41358;43373,43450;44524,44586;45896,45983;46300,46448;47384,47549;48092,48166;49441,49613;54098,54226;56657,62289

36063 49485,54226 1,163;6100,6137;6874,7105;27597,27764;29532,29637;30955,31117;34176,34229;34320,34379;35344,35425;35792,35946;38701,38757;41290,41358;43373,43450;44524,44586;45896,45983;46300,46448;47384,47549;48092,48166;49441,49613;54098,54136;54139,54225

36063 94,56867 49,163;6100,6137;6874,7105;27597,27764;29532,29637;30955,31117;34176,34229;34320,34379;35344,35425;35792,35946;38701,38757;41290,41358;43373,43450;44524,44586;45896,45983;46300,46448;47384,47549;48092,48166;49441,49613;54098,54226;56657,59705;59716,62289

36063 94,56867 49,163;6100,6137;6874,7105;27597,27764;29532,29637;30955,31117;34176,34229;34320,34379;35344,35425;35792,35946;38701,38757;41290,41358;43373,43450;44524,44586;45896,45983;46300,46448;47384,47549;48092,48166;49441,49613;54098,54226;56657,62289

36064 27,19629 1,54;5837,5899;8172,8255;10716,10830;12205,12392;12858,12991;14131,14233;14340,14404;15616,15700;16774,16926;19546,21165

36065 6263,15619 1,44;4906,5024;6250,6487;6605,6692;8238,8332;8426,8498;11781,11852;11964,12244;13325,13446;13742,13943;14689,14746;14861,14956;15560,15951

36065 2374, 15619 2363, 2640; 4906, 5024; 6250, 6487; 6605, 6692; 8238, 8332; 8426, 8498; 11781, 11852; 11964, 12244; 13325, 13446; 13742, 13943; 14689, 14746; 14861, 14956; 15560, 15951

36065 2467, 15619 2368, 2640; 4906, 5024; 6250, 6487; 6605, 6711; 8254, 8332; 8426, 8498; 11781, 11852; 11964, 12244; 13325, 13446; 13742, 13943; 14689, 14746; 14861, 14956; 15560, 15937

36066 9674, 37418 1, 510; 8690, 8841; 9664, 9840; 10826, 11028; 13005, 13187; 16819, 16892; 19440, 19592; 22937, 23039; 24547, 24662; 25970, 26119; 26498, 26591; 28297, 28455; 32619, 32749; 34054, 34133; 37297, 37475

36066 9674, 37418 634, 854; 8690, 8841; 9514, 9567; 9649, 9840; 10826, 11028; 13005, 13187; 16819, 16892; 19440, 19592; 22937, 23039; 24547, 24662; 25970, 26119; 26498, 26591; 28297, 28455; 32619, 32749; 34054, 34133; 37297, 38828

36066 9674, 37418 634, 854; 8690, 8841; 9514, 9567; 9664, 9840; 10826, 11028; 13005, 13187; 16819, 16892; 19440, 19592; 22937, 23039; 24547, 24662; 25970, 26119; 26498, 26591; 28297, 28455; 32619, 32749; 34054, 34133; 37297, 38828

36066 9674, 37418 634, 854; 8690, 8841; 9664, 9840; 10826, 11028; 13005, 13187; 16819, 16892; 19440, 19592; 22937, 23039; 24547, 24662; 25970, 26119; 26498, 26591; 28297, 28455; 32619, 32749; 34054, 34133; 37297, 38828

36066 9674, 37418 634, 854; 8690, 8841; 9664, 9840; 10826, 11028; 13005, 13187; 16819, 16892; 19440, 19592; 22937, 23039; 24547, 24662; 25970, 26119; 26498, 26591; 28297, 28455; 32619, 32749; 34054, 34133; 37297, 38828

36066 9674, 37418 721, 854; 9664, 9840; 10826, 11028; 13005, 13187; 16819, 16892; 19440, 19592; 22937, 23039; 24547, 24662; 25970, 26119; 26498, 26591; 28297, 28455; 32619, 32749; 34054, 34133; 37297, 37831

36067 9674, 37418 1, 510; 8690, 8841; 9664, 9840; 10826, 11028; 13005, 13187; 16819, 16892; 19440, 19592; 22937, 23039; 24547, 24662; 25970, 26119; 26498, 26591; 28297, 28455; 32619, 32749; 34054, 34133; 37297, 37475

36067 9674, 37418 634, 854; 8690, 8841; 9514, 9567; 9649, 9840; 10826, 11028; 13005, 13187; 16819, 16892; 19440, 19592; 22937, 23039; 24547, 24662; 25970, 26119; 26498, 26591; 28297, 28455; 32619, 32749; 34054, 34133; 37297, 38828

36067 9674, 37418 634, 854; 8690, 8841; 9514, 9567; 9664, 9840; 10826, 11028; 13005, 13187; 16819, 16892; 19440, 19592; 22937, 23039; 24547, 24662; 25970, 26119; 26498, 26591; 28297, 28455; 32619, 32749; 34054, 34133; 37297, 38828

36067 9674, 37418 634, 854; 8690, 8841; 9664, 9840; 10826, 11028; 13005, 13187; 16819, 16892; 19440, 19592; 22937, 23039; 24547, 24662; 25970, 26119; 26498, 26591; 28297, 28455; 32619, 32749; 34054, 34133; 37297, 38828

36067 9674, 37418 634, 854; 8690, 8841; 9664, 9840; 10826, 11028; 13005, 13187; 16819, 16892; 19440, 19592; 22937, 23039; 24547, 24662; 25970, 26119; 26498, 26591; 28297, 28455; 32619, 32749; 34054, 34133; 37297, 37831

36067 9674, 37418 721, 854; 9664, 9840; 10826, 11028; 13005, 13187; 16819, 16892; 19440, 19592; 22937, 23039; 24547, 24662; 25970, 26119; 26498, 26591; 28297, 28455; 32619, 32749; 34054, 34133; 37297, 37831

36068 697, 13209 1, 70; 686, 796; 898, 997; 2079, 2207; 2478, 2633; 4245, 4308; 4394, 4457; 5790, 5881; 7031, 7207; 7290, 7349; 9545, 9709; 9815, 9882; 12271, 12313; 12464, 12527; 12611, 12687; 13086, 13391

36068 697, 13209 2, 70; 686, 796; 898, 997; 2079, 2207; 2478, 2633; 4245, 4308; 4394, 4457; 5790, 5881; 7031, 7207; 7290, 7349; 9545, 9709; 9815, 9882; 12271, 12313; 12464, 12527; 12611, 12687; 13086, 13391

36068 697, 13209 2, 70; 686, 796; 898, 997; 2079, 2207; 4245, 4308; 4394, 4457; 5790, 5881; 7031, 7207; 7290, 7349; 9545, 9709; 9815, 9882; 12271, 12313; 12464, 12527; 1

2611,12687;13086,13391
 36069 29,14036 1,196;9000,9122;10896,10983;13944,14043;15146,15303
 36070 2719,3391 1,85;2477,4435
 36071 5844,32532 1,37;980,1078;1529,1640;4307,4382;5824,5949;9611,9803;10789,10926;13468,13622;14661,14799;15490,15688;17562,17640;19222,19344;19774,19915;22911,23069;24941,25017;26395,26643;32302,32985
 36071 5844,32532 5488,5949;9611,9803;10789,10926;13468,13622;14661,14799;15490,15688;17562,17640;19222,19344;19774,19915;22911,23069;24941,25017;26395,26643;32302,32983
 36072 2236,19651 1,43;74,129;2227,3024;4543,4723;5579,5748;6973,7191;12464,12569;14769,15146;16662,16742;17994,18184;19498,20007
 36072 2236,19651 1,50;74,129;2227,2613;2632,3024;4543,4723;5579,5748;6973,7191;12464,12569;14769,15146;16662,16742;17994,18184;19498,20007
 36073 242,7142 1,280;955,1016;3412,3518;4642,4727;5286,5382;7041,8508
 36074 49,9287 1,160;413,522;1699,1767;2397,2514;9198,10429
 36074 49,9287 1,160;413,522;2397,2514;9198,10429
 36075 7692,11445 1,58;7664,7874;9506,9644;11257,11696
 36075 9604,11525 1,58;9506,9644;11257,11695
 36075 7692,11445 7684,7874;9506,9557;9560,9619;9624,9644;11257,11532
 36076 25827,40423 1,143;25781,25941;33037,33245;36743,36920;40304,41872
 36077 25827,40423 1,143;25781,25941;33037,33245;36743,36920;40304,41872
 36078 499,32533 1,687;1075,1368;13185,13380;15313,15392;16762,16874;32385,32873
 36078 499,32533 20,92;275,687;1075,1368;13185,13380;15313,15392;16762,16874;32385,32873
 36079 945,4254 1,135;943,1043;1298,1394;2108,2226;2407,2628;3168,3325;3474,3648;4098,5668
 36080 120049,137922 120038,120081;126548,126708;127129,127236;127562,127725;129908,130000;130154,130232;131829,131966;132093,132221;132410,132522;135013,135094;137846,139143
 36080 41,895651 1,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8854;9313,19527;22572,22680;22848,23051;895606,895651
 36080 41,165055 42,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8759;9628,9743;19313,19527;22572,22680;22848,23051;164965,165055
 36080 41,513615 42,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8759;9628,9743;19313,19527;22572,22680;22848,23051;513576,513615
 36080 41,647322 42,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8759;9628,9743;19313,19527;22572,22680;22848,23051;647310,647322
 36080 41,821200 42,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8759;9628,9743;19313,19527;22572,22680;22848,23051;821191,821200
 36080 47,641523 48,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8800;9663,9743;19313,19527;22572,22680;22848,23051;641484,641523
 36081 4464,21535 1,20;4415,4596;4816,4911;12311,12398;18389,18520;19192,19278;19462,19560;19824,19931;20008,20084;20289,20366;20795,20923;21103,21206;21346,23487

36082	69,12389	1,71;4693,4842;11257,11370;12036,12095;12287,12668
36082	69,12389	1,71;4693,4842;12036,12095;12287,12668
36083	908,3472	1,132;884,1075;2682,2861;2935,3065;3153,3214;3344,3553
36083	908,3472	132,255;884,1075;2682,2861;2935,3065;3153,3214;3344,3553
36084	6271,28474	1,56;6254,6336;7641,7839;7993,8075;15364,15649;19775,19974;22872,22997;28129,29331
36084	6271,28474	8,56;6254,6336;7641,7839;7993,8075;15364,15649;19775,19974;22872,22997;28129,29323
36085	0,171364	1,133;139745,139918;140482,140777;148444,148716;157810,157894;158541,158718;160549,160733;164096,164248;165749,165838;166181,166345;169650,173354
36085	0,171364	1,136;139745,139918;140482,140777;148444,148716;157810,157894;158541,158718;160549,160733;164096,164248;165749,165838;166181,166345;169650,173354
36085	121127,171364	120747,121026;121048,121106;121125,121206;139745,139918;140482,140777;148444,148716;157810,157894;158541,158718;160549,160733;164096,164248;165749,165838;166181,166345;169650,173354
36085	120964,140573	120965,120994;121000,121044;121050,121076;121082,121111;121113,121206;139745,139918;140482,140573
36085	121127,171364	121114,121206;139745,139918;140482,140777;148444,148716;157810,157894;158541,158718;160549,160733;164096,164248;165749,165838;166181,166345;169650,173354
36086	148,27988	1,211;9673,9788;10676,10821;10915,11022;11228,11337;12842,12985;14108,14235;20138,20335;21657,21816;23715,23795;23888,23977;26026,26133;27881,29778
36086	148,23816	1,211;9673,9788;10676,10821;10915,11022;11228,11337;12842,12985;14108,14235;20138,20335;21657,21816;23715,23977;26026,26133;27881,29778
36087	148,27988	1,211;9673,9788;10676,10821;10915,11022;11228,11337;12842,12985;14108,14235;20138,20335;21657,21816;23715,23795;23888,23977;26026,26133;27881,29778
36087	148,23816	1,211;9673,9788;10676,10821;10915,11022;11228,11337;12842,12985;14108,14235;20138,20335;21657,21816;23715,23977;26026,26133;27881,29778
36088	45968,182470	1,150;33383,33486;45965,46398;130274,130410;160737,160939;175305,175438;177149,177261;182285,182679
36088	45968,182470	45279,45509;45965,46398;130274,130410;160737,160939;175305,175438;177149,177261;182285,183028
36089	45968,182470	1,150;33383,33486;45965,46398;130274,130410;160737,160939;175305,175438;177149,177261;182285,182679
36089	45968,182470	45279,45509;45965,46398;130274,130410;160737,160939;175305,175438;177149,177261;182285,183028
36090	75190,117768	1,190;45292,45426;75187,75346;86493,86654;102136,102213;102883,102975;104736,104823;105354,105409;106191,106268;107319,107437;112064,112271;112696,112764;113634,113906;114201,114386;117646,118934
36090	75190,117768	1,190;45292,45426;75187,75346;86493,86654;102136,102213;102883,102975;104736,104823;105354,105409;106191,106268;107319,107437

37;112064,112271;112696,112764;113634,113906;114201,114386;117646,118936
 36090 75190,114407 1,190;45292,45426;75187,75346;86493,86654;1
 02136,102213;102883,102975;104736,104823;105354,105409;106191,106268;107319,1074
 37;112064,112271;112696,112764;113634,113906;114201,114557
 36091 113,14441 1,248;5896,6102;8564,8795;14053,14584
 36092 23,7923 1,320;3505,3692;3885,3989;4737,4833;5046,5145;60
 00,6129;7761,8177
 36092 23,7923 1,320;3505,3692;3885,3989;4737,4833;5046,5145;60
 00,6129;7761,8178
 36093 1755,12302 1,602;1292,1356;1687,1757;3165,3213;4422,4554
 ;8650,8757;10382,10444;11382,11429;12223,13404
 36093 524,12302 1,602;1687,1757;3165,3213;4422,4554;8650,8757;
 10382,10444;11382,11429;12223,13404
 36094 56,20020 1,209;3330,3533;6571,6615;7746,7825;12362,12533
 ;12758,12804;13900,13990;14771,14840;14986,15133;16479,16569;17774,17863;18378,1
 8554;19934,20244
 36094 56,20020 1,209;3330,3533;6571,6615;7746,7825;12362,12533
 ;12758,12804;13900,13990;14771,14840;14986,15133;16479,16569;17774,17863;19934,2
 0244
 36094 56,20020 57,209;3330,3533;6571,6615;7746,7825;12362,1253
 3;12758,12804;13900,13990;14771,14840;14986,15133;16479,16569;17774,17863;18378,
 18554;19934,20245
 36095 280,4251 1,346;907,978;1594,1775;1966,2190;2371,2463;262
 7,2791;3749,3818;4166,4738
 36095 280,3914 1,346;907,978;1594,1775;1966,2190;2371,2463;262
 7,2791;3749,4737
 36096 279,4214 1,345;900,970;1577,1756;1946,2167;2348,2440;260
 4,2767;3717,3786;4130,4700
 36096 279,3880 1,345;900,970;1577,1756;1946,2167;2348,2440;260
 4,2767;3717,4700
 36096 279,22455 1,345;900,970;1577,1756;1946,2167;2348,2444;26
 04,2767;22437,22454
 36097 0,16546 1,950;1332,1479;13313,13421;14210,14320;15471,16
 546
 36097 4143,16546 4079,4200;13313,13421;14210,14320;15471,16839
 36098 147523,311090 1,200;147523,147719;199462,199544;231190,2
 31238;239775,239909;248635,248714;252703,252861;257094,257157;270455,270589;2961
 76,296307;302894,302935;303244,303423;307873,308016;310963,311315
 36098 162,311090 144,200;147523,147719;199462,199544;231190,23
 1238;239775,239909;248635,248714;252703,252861;257094,257157;270455,270589;29617
 6,296295;303226,303423;307873,308016;310963,311134;312493,314679;314716,316426
 36098 147523,311090 147215,147354;147523,147719;199462,199544;
 231190,231238;239775,239909;248635,248714;252703,252861;257094,257157;270455,270
 589;296176,296295;303226,303423;307873,308016;310963,311134;312493,312534
 36098 147523,311090 180,200;147523,147719;199462,199544;231190
 ,231238;239775,239909;248635,248714;252703,252861;257094,257157;270455,270589;29
 6176,296295;303226,303423;307873,308016;310963,311134;312493,313319
 36099 147523,311090 1,200;147523,147719;199462,199544;231190,2
 31238;239775,239909;248635,248714;252703,252861;257094,257157;270455,270589;2961
 76,296307;302894,302935;303244,303423;307873,308016;310963,311315

36099 162,311090 144,200;147523,147719;199462,199544;231190,23
1238;239775,239909;248635,248714;252703,252861;257094,257157;270455,270589;29617
6,296295;303226,303423;307873,308016;310963,311134;312493,314679;314716,316426
36099 147523,311090 147215,147354;147523,147719;199462,199544;
231190,231238;239775,239909;248635,248714;252703,252861;257094,257157;270455,270
589;296176,296295;303226,303423;307873,308016;310963,311134;312493,312534
36099 147523,311090 180,200;147523,147719;199462,199544;231190
,231238;239775,239909;248635,248714;252703,252861;257094,257157;270455,270589;29
6176,296295;303226,303423;307873,308016;310963,311134;312493,313319
36100 20,10969 1,166;2967,3104;3189,3287;3375,3493;4869,4961;5
053,5181;5259,5374;8542,8626;8713,8812;8909,9077;9190,9267;9451,9565;10830,11236
36100 20,10969 8,166;2967,3104;3189,3287;3375,3493;4869,4961;5
053,5181;5259,5374;8542,8626;8713,8812;8909,9077;9190,9267;9451,9565;10830,11237
36101 168,38431 1,189;7790,8090;10117,10268;13073,13208;16965,
17110;17543,17756;18476,18670;24678,24787;24879,25022;30314,30389;30475,30616;30
707,30800;34212,34288;34365,34440;34523,34614;35988,36164;36399,36461;36559,3663
5;36810,36952;37222,37329;37418,37498;38228,38513
36101 168,38431 1,189;7790,8090;10117,10268;13073,13212;16969,
17110;17543,17756;18476,18670;24678,24787;24879,25022;30314,30389;30475,30616;30
707,30800;34212,34288;34365,34440;34523,34614;35988,36164;36399,36461;36559,3663
5;36810,36952;37222,37329;37418,37498;38228,38513
36101 6937,38431 6907,6976;7790,8090;10117,10268;13073,13212;1
6969,17110;17543,17756;18476,18670;24678,24787;24879,25022;30314,30389;30475,306
16;30707,30800;34212,34288;34365,34440;34523,34614;35988,36164;36399,36461;36559
,36635;36810,36952;37222,37329;37418,37498;38228,38513
36101 6937,38431 6921,6976;7790,8090;10117,10268;13073,13208;1
6965,17110;17543,17756;18476,18670;24678,24787;24879,25022;30314,30389;30475,306
16;30707,30800;34212,34288;34365,34440;34523,34614;35988,36164;36399,36461;36559
,36635;36810,36952;37222,37329;37418,37498;38228,38513
36102 4729,16890 1,219;4658,4846;6643,6836;12112,12273;13181,1
3325;13992,14102;16741,18242
36102 4729,16890 89,267;4658,4846;6643,6836;12112,12273;13181,
13325;13992,14102;16741,18242
36103 226,26381 1,347;13372,13479;18380,18457;19490,19584;2409
2,24259;26334,28849
36104 226,26356 1,347;13350,13457;18355,18432;19465,19559;2406
6,24233;26309,28822
36105 31270,70198 1,119;29664,29697;31163,31318;64394,64581;68
174,68258;70097,70271;84563,85064;427203,427225
36105 340973,358403 340450,340778;340959,341000;343868,343960;
354510,354568;354669,354814;358210,358735
36105 344726,345521 340924,341000;343868,343960;344709,345719
36105 340973,358403 340924,341000;343868,343960;354510,354568;
354669,354814;358210,358735
36106 144,13783 103,176;4862,5556;6319,6382;7469,7652;8942,910
3;13355,14496
36106 144,13783 1,176;4862,5556;6319,6382;7469,7652;8942,9103;
13355,16706
36107 0,768043 1,451;623914,624411;629474,629815;767706,768043
36107 279256,322313 279106,279344;279436,279602;295127,295151;

296588,296650;303327,303449;304986,305108;307542,307664;308505,308626;310296,310543;310689,310878;314466,314630;316013,316181;319627,319802;320991,321219;322159,322614

36107 279256,322313 279106,279344;279436,279602;295127,295151;
296588,296650;303327,303449;304986,305108;307542,307664;308505,308626;310425,310543;310689,310878;314466,314630;316013,316181;319627,319802;320991,321219;322159,322614

36107 279256,322313 279120,279344;279436,279602;295127,295151;
296588,296650;303327,303449;304986,305108;307542,307664;308505,308626;310425,310543;310689,310878;314466,314630;316013,316181;319627,319802;320991,321219;322159,322603

36107 279730,649565 279731,279794;328236,328359;593281,593570;
614730,615006;619774,620244;635471,635817;648949,649565

36107 296093,322313 291988,292589;295073,296211;296588,296650;
303327,303449;304986,305108;307542,307664;308505,308626;310425,310543;310689,310878;314466,314630;316013,316181;319627,319802;320991,321219;322159,322616

36108 10091,27531 1,52;10057,10216;10420,10615;13275,13398;13477,13608;15246,15340;16264,16500;19720,20001;21138,21382;21457,21654;24035,24421;25405,25521;25700,25826;26739,26927;27304,27563

36108 10091,27531 8,52;10057,10216;10420,10615;13275,13398;13477,13608;15246,15340;16264,16500;19720,20001;21138,21382;21457,21654;24035,24421;25405,25521;25700,25826;26739,26927;27304,27563

36108 10091,27531 9,52;10016,10216;10420,10615;13275,13398;13477,13608;15246,15340;16264,16500;19720,20001;21138,21382;21457,21654;24035,24421;25405,25521;25700,25826;26739,26927;27304,27563

36109 162,281325 1,344;178655,178775;216668,216748;228790,22875;239297,239350;251569,251658;255316,255431;258352,258426;264308,264386;271783,271911;272953,273076;278847,278926;280453,280551;281211,287943

36109 162116,281325 161805,162118;178655,178775;216668,216748;
228790,228875;239297,239350;251569,251658;255316,255431;258352,258426;264308,264386;271783,271911;272953,273076;278847,278926;280453,280551;281211,287943

36109 178664,281325 161805,162118;178655,178775;216668,216748;
228790,228875;239297,239350;251569,251658;255316,255431;258352,258426;264308,264386;271783,271911;272953,273076;278847,278926;280453,280551;281211,287943

36109 239246,281325 239103,239350;251569,251658;255316,255431;
258352,258426;264308,264386;271783,271911;272953,273076;278847,278926;280453,280551;281211,287943

36110 145,66178 1,161;13457,13556;46028,46163;46858,46967;47626,47814;49871,49976;50332,50528;53683,53869;54721,54807;55513,55644;55881,55937;58873,58938;60267,60441;61189,61244;62888,63045;66034,67815

36110 36453,66178 36139,36506;46028,46163;46858,46967;47626,47814;49871,49976;50332,50528;53683,53869;54721,54807;55513,55644;55881,55937;58873,58938;60267,60441;61189,61244;62888,63045;66034,67815

36110 36453,66178 36224,36506;46028,46163;46858,46967;47626,47814;49871,49976;50332,50528;53683,53869;54721,54807;55513,55644;55881,55937;58873,58938;60267,60441;61189,61244;62888,63045;64526,64873;66034,66178

36111 789,44908 1,199;763,1001;6934,7071;10592,10675;40884,40976;42273,42417;43406,43562;44685,46265

36111 40917,44840 289,501;763,1001;6934,7071;10592,10675;40884,40976;42273,42417;43406,43562;44685,44778;44783,44839

36111	789,44908	289,501;763,1001;6934,7071;10592,10675;40884,40976;42273,42417;43406,43562;44685,46265
36112	83,17883	1,161;7226,7390;7527,7616;14279,14407;17725,17977
36112	83,17883	83,151;7201,7390;7527,7616;14279,14407;17725,17977
36113	561,145274	111,252;420,755;38243,38344;47567,47691;53024,53104;62861,63075;65506,65580;67110,67261;69364,69474;76479,76590;79231,79398;81907,82100;89435,89551;95831,95979;99005,99146;99764,99860;104084,104200;106375,106554;109778,109917;112419,112592;113208,113353;113789,113951;114826,114959;115420,115591;118457,118588;120102,120244;121224,121362;121821,121958;123610,123743;124671,124835;125636,125789;132509,132696;134238,134427;135399,135554;136812,136971;138717,138847;139954,140047;140515,140634;145128,145836
36113	561,145274	1,269;420,755;38243,38344;47567,47691;53024,53104;62861,63075;65506,65601;67110,67261;69364,69474;76479,76590;79231,79398;81907,82100;89435,89551;95831,95979;99005,99146;99764,99860;104084,104200;106375,106554;109778,109917;112419,112592;113208,113353;113789,113951;114826,114959;115420,115591;118457,118588;120102,120244;121224,121362;121821,121958;123610,123743;124671,124835;125636,125789;132509,132696;134238,134427;135399,135554;136812,136971;138717,138847;139954,140047;140515,140634;145128,145845
36113	561,40735	561,755;38243,38344;40642,40734
36114	194,18666	1,265;10152,10323;10418,10583;13811,13895;14657,14706;14829,15070;15207,15307;16133,16184;16330,16366;16586,16631;17059,17149;18435,18492;18629,19467
36114	260,18666	7,265;10152,10323;10418,10583;13811,13895;14657,14706;14829,15070;15207,15307;16133,16184;16330,16366;16586,16631;17059,17149;18435,18492;18629,19469
36115	28,19284	1,49;2728,2838;5105,5200;19204,19522
36115	28,19284	5,49;2728,2838;5105,5200;19204,19504
36116	84,11336	1,225;489,541;2447,2560;3564,3683;6637,6729;9592,9745;10939,10945;11212,11336
36116	84,11336	1,225;489,541;2447,2560;3564,3683;6637,6729;9592,9748;11208,12097
36116	84,11336	1,225;489,541;2447,2560;3564,3683;9592,9745;10939,10945;11212,11336
36116	84,11336	1,225;489,541;2447,2560;3564,3683;9592,9748;11208,12097
36117	86,7614	1,664;1719,1779;1875,1970;2119,2280;2452,2577;2964,3184;5401,5444;7287,7369;7573,8361
36117	86,7614	87,664;1719,1779;1875,1970;2119,2280;2452,2577;2964,3184;5401,5444;7287,7369;7573,8356
36118	111407,133237	1,23;111292,111468;115816,115910;129639,129772;133011,133116;133166,133236
36118	70219,141525	70031,70309;111297,111468;115816,115910;129639,129772;133011,133284;140177,140198;141464,141538;142386,143418
36118	70219,141525	70081,70309;106065,106412;111297,111468;115816,115910;129639,129772;133011,133284;140177,140198;141464,141538;142386,143412
36118	70219,141525	70081,70309;111297,111468;115816,115910;129639,129772;133011,133284;140177,140198;141464,141538;142386,143412
36119	582,6151	1,942;2997,3289;5686,8080

36120 69,126191 1,150;104645,104833;109900,109974;112745,11284
 0;114229,114384;119728,119811;126123,126198;126463,127437
 36120 69,126191 9,150;104645,104833;109900,109974;112745,11284
 0;114229,114384;119728,119811;126123,126198;126463,127441
 36121 665,3858 1,207;646,882;1040,1175;1292,1459;1617,1726;287
 8,2928;3065,3200;3765,4160
 36121 665,3070 88,207;645,882;1040,1085;1711,1726;2878,2928;30
 65,3200;3764,4160
 36122 7,50187 1,35;18644,18711;25390,25483;29331,29381;30030,3
 0156;30233,30296;34165,34282;38242,38344;40330,40429;40737,40925;43156,43230;434
 65,43523;44004,44119;44388,44539;44646,44835;45066,45155;46398,46550;46679,46714
 ;49439,49470;49813,49964;50037,50690
 36122 7,50187 1,35;18644,18711;25390,25483;29331,29381;30030,3
 0156;30233,30296;34165,34282;38242,38344;40330,40429;40737,40925;43156,43230;434
 65,43523;44004,44119;44388,44539;44646,44835;45066,45155;46398,46550;46679,46714
 ;49439,49470;49813,49964;50037,50694
 36123 79403,82021 1,28;79374,79589;79768,79898;81364,83016
 36123 55882,60020 55788,56005;57337,57397;58537,58597;58822,58
 899;59310,59399;59518,59583;59674,59727;59942,60464
 36124 58548,209837 1,46;58247,60046;89433,89563;94724,94912;12
 1011,121185;129009,129112;131986,132143;141795,142368;143024,143298;156038,15630
 7;169657,169803;173057,173181;175397,175459;175898,176016;179898,180340;194323,1
 94562;195346,195511;200731,200977;204342,204488;205953,206067;208917,209001;2096
 94,210077
 36125 44,13522 1,160;4215,4367;4545,4659;5672,5848;12020,12164
 ;13134,13707
 36125 44,13522 44,149;270,280;4215,4367;4545,4659;5672,5848;12
 020,12164;13134,13707
 36126 1102,3027 1,212;1038,1398;1518,1617;1739,1812;1971,2090;
 2571,2720;2910,3222
 36127 34,16109 1,198;285,370;8162,8335;8993,9084;12366,12484;1
 3743,13913;15827,16918
 36127 701,16109 305,777;8162,8335;8993,9084;12366,12484;13743,
 13913;15827,16919
 36127 34,16109 9,198;285,370;8162,8335;8993,9084;12366,12484;1
 3743,13913;15827,16918
 36128 1975,11855 1,49;1956,2164;4885,5012;5783,5892;6166,6368;
 6975,7217;8075,8355;8981,9193;9994,10096;10334,10527;11741,12887
 36129 19,43636 1,286;16362,16471;19964,20102;39032,39227;43242
 ,45427
 36129 19,43636 1,286;16362,16471;19964,20102;39032,39227;43242
 ,45434
 36130 18812,40097 112,462;18806,18851;19981,20304;20843,21109;
 21851,21978;22099,22273;22917,23109;23765,23880;25197,25320;25891,26102;29245,29
 339;30282,30414;31028,31132;31499,31609;32658,32817;33819,33979;34537,34655;3484
 9,34971;35736,35847;36293,36392;37007,37112;38009,38241;39913,42019
 36130 18812,40097 1,462;18806,18851;19981,20304;20843,21109;21
 851,21978;22099,22273;22917,23109;23765,23880;25197,25320;25891,26102;29245,2933
 9;30282,30414;31028,31132;31499,31609;32658,32817;33819,33979;34537,34655;34849,
 34971;35736,35847;36293,36392;37007,37112;38009,38241;39913,42013

36131 8304,26568 1,44;3745,4307;8269,8430;9353,9481;15666,1577
 6;16048,16132;20478,20639;21673,21864;23577,23758;26425,26645
 36131 8304,26568 1,44;8269,8430;9353,9481;15666,15776;16048,16
 132;20478,20639;21673,21864;23577,23758;26425,26645
 36132 4946,15482 1,149;4939,5030;7888,8086;9065,9220;9908,1011
 1;13094,13236;14568,14778;15223,15610
 36132 4946,15482 1,149;4939,5030;7888,8086;9065,9220;9908,1011
 1;13094,13236;14568,14778;15223,15616
 36133 618,1590 12,803
 36133 618,1590 6,181,589
 36134 122,11989 1,134;3717,3808;5165,5272;8246,8367;10657,1080
 8;11930,12683
 36134 122,11989 1,134;3717,3808;5165,5272;8246,8367;10657,1080
 8;11930,13704
 36135 104,3757 1,164;1650,1682;2848,2923;3615,4002
 36136 3958,11292 1,126;3952,4039;5284,5388;7583,7682;9025,9103
 ;10375,10510;11203,11917
 36136 3958,10316 58,126;3951,4039;5284,5388;7583,7682;9025,910
 3;10265,10319;10323,10510;11202,11917
 36136 3958,11213 58,126;3952,4039;5284,5388;7583,7682;9025,910
 3;10265,10510;11203,11917
 36137 3958,11292 1,126;3952,4039;5284,5388;7583,7682;9025,9103
 ;10375,10510;11203,11917
 36137 3958,10316 58,126;3951,4039;5284,5388;7583,7682;9025,910
 3;10265,10319;10323,10510;11202,11917
 36137 3958,11213 58,126;3952,4039;5284,5388;7583,7682;9025,910
 3;10265,10510;11203,11917
 36138 195,24391 10,285;16491,16922;17287,17474;17558,17692;177
 78,17999;18638,18752;19096,19316;19555,19756;19876,20054;20294,20555;20639,20805
 ;20984,21152;21683,21791;22068,22177;22265,22397;22602,22767;23243,23443;23533,2
 3644;24161,24933
 36138 195,25258 10,285;16491,16922;17287,17474;17558,17692;177
 78,17999;18638,18752;19096,19316;19555,19756;19876,20054;20294,20555;20639,20805
 ;20984,21152;21683,21791;22068,22177;22265,22397;22602,22767;23243,23443;24956,2
 5039;25228,25257
 36138 195,24391 1,285;13405,13494;16491,16922;17287,17474;1755
 8,17692;17778,17999;18638,18752;19096,19316;19555,19756;19876,20054;20294,20555;
 20639,20805;20984,21152;21683,21791;22068,22177;22265,22397;22602,22767;23243,23
 443;23533,23644;24161,24940
 36138 195,24391 1,285;16491,16922;17287,17474;17558,17692;1777
 8,17999;18638,18752;19096,19316;19555,19756;19876,20054;20294,20555;20639,20805;
 20984,21152;21683,21791;22068,22177;22265,22397;22602,22767;23243,23443;23533,23
 644;24161,24940
 36138 13476,25258 13382,13494;16491,16922;17287,17474;17558,17
 692;17778,17999;18638,18752;19096,19316;19555,19756;19876,20054;20294,20555;2063
 9,20805;20984,21152;21683,21791;22068,22177;22265,22397;22602,22767;23243,23443;
 24956,25039;25228,25257
 36139 39043,146972 1,710;39044,39230;62477,62612;68124,68211;6
 9964,70108;72532,72760;84475,84616;86529,86629;88978,89092;93810,93893;96408,964
 64;97516,97632;97731,97829;99385,99498;102004,102202;104083,104221;111956,112055

;113979,114106;116200,116298;118342,118577;125372,125498;128158,128302;135152,135286;138154,138345;145660,145833;146434,146578;146911,148249
36139 686,146972 1,710;39044,39230;62477,62612;68124,68211;69964,70108;72532,72760;84475,84616;86529,86629;88978,89092;93810,93893;96408,96464;97516,97632;97731,97829;99385,99498;102004,102202;104083,104221;111956,112055;113979,114106;116200,116298;118342,118577;125372,125498;128158,128302;135152,135286;138154,138345;145660,145834;146432,146578;146911,148252
36139 39043,146972 618,710;39044,39230;62477,62612;68124,68211;69964,70108;72532,72760;73213,73599;84475,84616;86529,86629;88978,89092;93810,93893;96408,96464;97516,97632;97731,97829;99385,99498;102004,102202;104083,104221;111956,112055;113979,114106;116200,116298;118342,118577;125372,125498;128158,128302;135152,135286;138154,138345;145660,145833;146434,146578;146911,148249
36140 29,2051 1,132;1010,1083;1287,1386;1939,2134
36140 29,2051 1,132;1010,1083;1287,1386;1939,2136
36141 77,80184 1,140;39170,39263;47502,47560;57407,57489;76584,76683;79432,79560;80110,81712
36141 77,80184 1,140;39170,39267;47509,47560;57407,57489;76584,76683;79432,79560;80110,81712
36141 77,80184 1,140;57407,57489;76584,76683;79432,79560;80110,80468
36142 1,166580 1,155;18943,19110;61821,62390;72645,72767;92276,92398;109754,109876;125348,125470;134529,134651;137973,138095;138347,138469;147408,147530;148862,148984;152073,152195;158284,158697;161330,161482;163114,163185;163910,164044;164429,164505;166360,166375;166519,166580
36142 18968,166580 18845,19110;61821,62390;72645,72767;92276,92398;109754,109876;125348,125470;134529,134651;137973,138095;138347,138469;147408,147530;148862,148984;152073,152195;158284,158697;161330,161482;163114,163185;163910,164044;164429,164527;166525,167080
36142 18968,166580 18845,19110;61821,62390;72645,72767;92276,92398;109754,109876;125348,125470;134529,134651;137973,138095;138347,138469;147408,147530;148862,148984;152073,152195;158284,158697;161330,161482;163114,163185;163967,164044;164429,164527;166525,167080
36143 217,6026 1,281;369,602;1003,1188;1344,1517;1738,1839;1941,2077;2370,2508;2826,2957;3239,3340;3416,3553;4046,4143;4282,4399;4615,4768;4864,4940;5140,5240;5337,5469;5551,5600;5871,6079
36144 149143,167018 1,209;216,292;149117,149200;153124,153192;155224,155280;161119,161259;162126,162269;166932,167047;170214,170896
36144 149143,167018 1,292;149117,149200;153124,153192;155224,155280;161119,161259;162126,162269;166932,167047;170214,170896
36144 149143,167018 77700,77717;149117,149200;153124,153192;155224,155280;161119,161259;162126,162269;166932,167047;170214,170896
36145 239,11093 1,302;864,983;9395,9530;9989,10071;10419,11281
36145 239,11093 1,302;864,983;9395,9530;9989,10071;10419,11285
36145 10445,11093 9261,9394;9989,10060;10419,11495
36145 10445,11093 9261,9394;9989,10061;10419,11495
36145 10445,11093 9261,9394;9989,10061;10424,11495
36146 94,62053 1,208;39568,39632;58452,58575;59463,59544;61429,61476;61555,61630;61942,63024;123972,124137
36146 94,121181 21,208;39568,39632;58452,58575;59463,59544;61429,61476;61555,61630;61942,62043;66425,66524;70057,70155;76033,76181;77054,77133

;77264,77348;77396,77400;79052,79191;81147,81363;81911,82054;82285,82367;82664,82728;86690,86780;88268,88395;89500,89717;90081,90174;99689,99794;100382,100542;101311,101539;104756,104929;105032,105138;107632,107698;110163,110233;113010,113045;114555,114629;114943,115161;118374,118463;119025,119246;120667,120825;121025,122046

36146 94,121181 21,208;39568,39632;58452,58575;59463,59544;61429,61476;61555,61630;61942,62043;66425,66524;70057,70155;76033,76181;77054,77133;77264,77353;79052,79191;81147,81363;81911,82054;82285,82367;82664,82728;86690,86780;88268,88395;89500,89717;90081,90174;99689,99794;100382,100542;101311,101539;104756,104929;105032,105138;107632,107698;110163,110233;113010,113045;114555,114629;114943,115161;118374,118463;119025,119246;120667,120825;121025,122046

36147 31,2556 1,141;1126,1227;1330,1391;1941,2107;2362,3233

36147 31,2556 1,141;1126,1227;1330,1391;1941,2107;2362,3236

36148 0,504919 1,313;504267,504919

36148 76260,241159 76201,76272;109729,109814;112098,112197;115896,115935;122861,123027;125539,125646;126128,126203;128589,128744;159762,159961;178256,178421;179200,179274;179828,180015;190110,190205;196315,196471;199205,199338;211902,211968;214208,214287;235109,235243;236839,236952;240651,240706;241138,242796

36149 93,26414 1,184;2109,2184;4516,4648;8945,9151;9549,9712;26408,26413

36149 18979,77414 18958,19047;23788,23879;24296,24407;41382,41453;75206,75313;77285,79371

36150 362,7896 1,875;2553,2819;4412,4673;5254,5373;7000,7191;7512,7588;7801,10207

36150 362,7896 5,875;2553,2819;4412,4673;5254,5373;7000,7191;7512,7588;7801,10211

36151 471,35833 1,541;3188,3198;3822,3836;4489,4524;5636,5728;7007,7060;9996,10040;10133,10186;10279,10332;10639,10692;11113,11166;11690,11743;13287,13331;13623,13676;13776,13820;14210,14263;14762,14860;15004,15048;15163,15261;15682,15735;15860,15967;16329,16382;16496,16594;17508,17561;18024,18122;18523,18576;19130,19183;19334,19387;19662,19715;20666,20710;21845,21943;23164,23271;23939,23992;24938,24991;25673,25726;25831,25884;25981,26088;26449,26502;27339,27392;28397,28558;29776,29883;30557,30664;31050,31103;31190,31297;31438,31491;31863,31970;32448,32501;32628,32735;33067,33325;33733,33917;34628,34870;35687,36672

36151 471,35833 472,582;5636,5728;7007,7060;9996,10040;10133,10186;10279,10332;10639,10692;11113,11166;11690,11743;13287,13331;13623,13676;13776,13820;14210,14263;14762,14860;15004,15048;15163,15261;15682,15735;15860,15967;16329,16382;16496,16594;17508,17561;18024,18122;18523,18576;19130,19183;19334,19387;19662,19715;20666,20710;21845,21943;23164,23271;23939,23992;24938,24991;25673,25726;25831,25884;25981,26088;26449,26502;27339,27392;28397,28558;29776,29883;30557,30664;31050,31103;31190,31297;31438,31491;31863,31970;32448,32501;32628,32735;33067,33325;33733,33917;34628,34870;35687,36672

36152 471,35833 1,541;3188,3198;3822,3836;4489,4524;5636,5728;7007,7060;9996,10040;10133,10186;10279,10332;10639,10692;11113,11166;11690,11743;13287,13331;13623,13676;13776,13820;14210,14263;14762,14860;15004,15048;15163,15261;15682,15735;15860,15967;16329,16382;16496,16594;17508,17561;18024,18122;18523,18576;19130,19183;19334,19387;19662,19715;20666,20710;21845,21943;23164,23271;23939,23992;24938,24991;25673,25726;25831,25884;25981,26088;26449,26502;27339,27392;28397,28558;29776,29883;30557,30664;31050,31103;31190,31297;31438,31491;31863,31970;32448,32501;32628,32735;33067,33325;33733,33917;34628,34870;35687,36672

63,31970;32448,32501;32628,32735;33067,33325;33733,33917;34628,34870;35687,36672
36152 471,35833 472,582;5636,5728;7007,7060;9996,10040;10133,1
0186;10279,10332;10639,10692;11113,11166;11690,11743;13287,13331;13623,13676;137
76,13820;14210,14263;14762,14860;15004,15048;15163,15261;15682,15735;15860,15967
;16329,16382;16496,16594;17508,17561;18024,18122;18523,18576;19130,19183;19334,1
9387;19662,19715;20666,20710;21845,21943;23164,23271;23939,23992;24938,24991;256
73,25726;25831,25884;25981,26088;26449,26502;27339,27392;28397,28558;29776,29883
;30557,30664;31050,31103;31190,31297;31438,31491;31863,31970;32448,32501;32628,3
2735;33067,33325;33733,33917;34628,34870;35687,36672
36153 565,21366 1,596;8782,8878;14473,14571;14807,14861;15021,
15108;17020,17095;18196,18304;19294,19389;19495,19579;19827,19950;20280,20419;21
239,21607
36153 3532,20005 3517,3578;8782,8878;14473,14571;14807,14861;1
5021,15108;17020,17095;18196,18304;19294,19389;19495,19579;19827,20419;21238,216
28
36153 8867,20005 3517,3578;8782,8878;14473,14571;14807,14861;1
5021,15108;17020,17095;18196,18304;19294,19389;19495,19579;19827,20419;21239,216
28
36153 565,21366 520,596;8782,8878;14473,14571;14807,14861;1502
1,15108;17020,17095;18196,18304;19294,19389;19495,19579;19827,19950;20280,20419;
21239,21628
36153 8867,20005 66,596;8782,8878;14473,14571;14807,14861;1502
1,15108;17020,17095;18196,18304;19294,19389;19495,19579;19827,20419;21239,21628
36154 2822,16031 1,341;2815,2999;3117,3177;6403,6486;7040,7137
;7997,8103;8292,8461;9042,9199;11067,11156;12612,12655;15926,16031
36154 2822,16027 1,341;2815,2999;3117,3177;6403,6486;7040,7137
;7997,8103;8292,8461;9042,9199;11067,11156;12612,12739;12844,12916;13596,13724;1
3811,13909;15902,16304
36155 12288,14825 12288,12448;12472,12476;14146,14294;14588,15
077
36155 12288,14825 1,245;12282,12444;14146,14294;14588,15077
36155 18087,18429 1,607,618,690
36155 18087,18429 1,808,718,428
36155 12288,14825 8837,9582;12282,12444;14146,14294;14588,1525
3
36155 12288,14825 9039,9582;12282,12444;14146,14294;14588,1508
5
36156 12288,14825 12288,12448;12472,12476;14146,14294;14588,15
077
36156 12288,14825 1,245;12282,12444;14146,14294;14588,15077
36156 12288,14825 8837,9582;12282,12444;14146,14294;14588,1525
3
36156 12288,14825 9039,9582;12282,12444;14146,14294;14588,1508
5
36157 950,5786 1,65;893,1041;4119,4148;5049,5201;5701,5955
36157 3391,3760 2119,4148;5048,5201;5700,5947
36157 950,5786 4,65;892,1041;4119,4160;5052,5201;5701,5954
36157 950,5786 83,246;927,1041;4119,4148;5049,5201;5701,5952
36158 134,4483 1,164;827,1038;1203,1307;1443,1521;3361,3418;35
83,3738;4153,4246;4336,4538

36158	14,1260	13,164;827,1038;1203,1262;1264,1304
36158	134,4483	18,164;827,1038;1203,1307;1443,1521;3361,3418;3
		583,3738;4153,4246;4336,4538
36159	255,33532	1,346;6500,6710;13474,13620;21676,21753;22849,
		22900;22986,23110;24715,24928;26786,26850;28680,28741;29631,29676;33421,33805
36160	155,17674	1,263;11459,11499;15365,15449;15906,16017;1763
		7,17923
36161	1179,5310	1,52;1180,1297;3732,3794;5237,5532
36161	576,5310	76,206;551,636;1180,1297;3732,3794;5237,5532
36161	576,5310	76,206;551,636;1180,1297;3732,3794;5237,5536
36162	269,321333	1,458;151081,151281;238119,238243;247475,2475
		86;248685,248830;253282,253421;263934,264011;266571,266665;283840,283965;286036,
		286110;306631,306715;314833,314930;318002,318031;321136,323759
36162	401,321333	1,458;151081,151281;238119,238243;247475,2475
		86;248685,248830;253282,253421;263934,264011;266571,266665;283840,283965;286036,
		286110;306631,306715;314833,314930;318002,318031;321136,323767
36163	113,57761	1,197;16485,16685;17379,17503;20972,21083;2438
		9,24534;24793,24932;25038,25115;25221,25315;28324,28449;41513,41590;49429,49510;
		51180,51277;56101,56130;57582,59196
36163	113,57761	41,197;16485,16685;17379,17503;20972,21083;243
		89,24534;24793,24932;25038,25115;25221,25315;28324,28449;41513,41590;49426,49510
		;51180,51277;57582,59196
36163	113,51403	4,197;16485,16685;17379,17503;18791,18844;2097
		2,21083;24389,24534;24793,24932;25038,25115;25221,25315;28324,28449;41513,41590;
		49429,49510;51180,51402
36163	113,57761	6,197;16485,16685;17379,17503;20972,21083;2438
		9,24534;24793,24932;25038,25115;25221,25315;28324,28449;41513,41590;49429,49510;
		51180,51277;56101,56130;57582,59148
36164	98,6474	11,201;863,966;1597,1727;2035,2065;2650,2807;370
		5,3831;4637,4743;4920,5073;6421,6603
36164	98,6474	1,201;863,966;1597,1727;2035,2065;2650,2807;3705
		,3831;4637,4743;4920,5073;6421,6599
36165	301,18149	174,403;1145,1281;1948,2125;4399,4487;7129,732
		9;8920,9090;14996,15122;18123,18303
36165	301,22691	186,403;1145,1281;1948,2125;4399,4487;7129,732
		9;8920,9090;14996,15122;18338,18511;22218,26664
36165	301,22691	1,92;106,149;159,403;1145,1281;1948,2125;4399,
		4487;7129,7329;8920,9090;14996,15122;18338,18511;22218,23209
36165	301,13829	226,403;1145,1281;1948,2125;4399,4487;7129,732
		9;8920,9090;13769,13898;14996,15122;18123,18304
36166	160252,216857	100275,100435;160227,160331;179743,180136;
		180139,180168;180173,181002;184743,184879;193060,193211;195134,195349;196246,196
		342;196910,196954;198217,198401;199721,199830;200038,200107;203098,203175;203727
		,203867;208232,208380;211562,211739;211978,212019;213316,213427;214286,214525;21
		5403,215489;216822,217597
36166	160252,216857	100275,100435;160227,160331;179743,181002;
		184743,184879;193060,193211;195134,195349;196246,196342;196910,196954;198217,198
		401;199721,199830;200038,200107;203098,203175;203727,203867;208232,208380;211562
		,211739;211978,212019;213316,213427;214286,214525;215403,215489;216822,217599
36166	160252,216857	100275,100435;160227,160331;184743,184879;

193060, 193211; 195134, 195349; 196246, 196342; 196910, 196954; 198217, 198401; 199721, 199830; 200038, 200107; 203098, 203175; 203727, 203867; 208232, 208380; 211562, 211739; 211978, 212019; 213316, 213427; 214286, 214525; 215403, 215489; 216822, 217597

36166 160252, 216857 1, 131; 29843, 29942; 71602, 71642; 99617, 99705; 160227, 160331; 179743, 181002; 184743, 184879; 193060, 193211; 195134, 195349; 196246, 196342; 196910, 196954; 198217, 198401; 199721, 199830; 200038, 200107; 203098, 203175; 203727, 203867; 208232, 208380; 211562, 211739; 211978, 212019; 213316, 213427; 214286, 214525; 215403, 215489; 216822, 217599

36166 160252, 216857 71597, 71642; 99617, 99705; 160227, 160331; 179743, 181002; 184743, 184879; 193060, 193211; 195134, 195349; 196246, 196342; 196910, 196954; 198217, 198401; 199721, 199830; 200038, 200107; 203098, 203175; 203727, 203867; 208232, 208380; 211562, 211739; 211978, 212019; 213316, 213427; 214286, 214525; 215403, 215489; 216822, 217597

36166 160252, 216857 71597, 71642; 99617, 99705; 160227, 160331; 184743, 184879; 193060, 193211; 195134, 195349; 196246, 196342; 196910, 196954; 198217, 198401; 199721, 199830; 200038, 200107; 203098, 203175; 203727, 203867; 208232, 208380; 211562, 211739; 211978, 212019; 213316, 213427; 214286, 214525; 215403, 215489; 216822, 217597

36166 160252, 216857 99617, 99705; 160227, 160331; 184743, 184879; 193060, 193211; 195134, 195349; 196246, 196342; 196910, 196954; 198217, 198401; 199721, 199830; 200038, 200107; 203098, 203175; 203727, 203867; 208232, 208380; 211562, 211739; 211978, 212019; 213316, 213427; 214286, 214525; 215403, 215489; 216822, 217599

36167 116, 11066 1, 185; 11058, 11093; 24749, 24840; 28096, 28207; 53166, 53237; 60964, 61071; 71441, 72158

36167 116, 71569 1, 185; 24749, 24840; 28096, 28207; 53166, 53237; 60964, 61071; 71441, 72158

36168 1532, 11539 1, 123; 1531, 1651; 2113, 2235; 2321, 2476; 4098, 4316; 8628, 8793; 9064, 9169; 11439, 12126

36169 16355, 40584 1, 339; 16261, 16512; 17961, 18111; 18320, 18756; 19071, 19247; 20393, 20507; 20652, 20798; 21131, 21304; 29175, 29390; 30079, 30120; 30266, 30385; 31033, 31148; 31801, 31989; 36489, 36586; 38392, 38494; 40526, 42130

36169 16355, 40584 1, 339; 16261, 16512; 17961, 18111; 18320, 18756; 19071, 19247; 20393, 20507; 20652, 20798; 21131, 21304; 29175, 29390; 30079, 30120; 30266, 30385; 31033, 31148; 31801, 31989; 36489, 36586; 38392, 38494; 40526, 42133

36170 269, 321333 1, 458; 151081, 151281; 238119, 238243; 247475, 247586; 248685, 248830; 253282, 253421; 263934, 264011; 266571, 266665; 283840, 283965; 286036, 286110; 306631, 306715; 314833, 314930; 318002, 318031; 321136, 323759

36170 401, 321333 1, 458; 151081, 151281; 238119, 238243; 247475, 247586; 248685, 248830; 253282, 253421; 263934, 264011; 266571, 266665; 283840, 283965; 286036, 286110; 306631, 306715; 314833, 314930; 318002, 318031; 321136, 323767

36171 7123, 8275 1, 131; 7111, 10709

36172 91, 5738 1, 186; 1065, 1173; 1594, 1852; 2726, 2850; 3311, 3447; 4051, 4265; 5087, 5158; 5272, 5442; 5572, 5807

36172 91, 5738 2, 186; 1065, 1173; 1594, 1852; 2726, 2850; 3311, 3447; 4051, 4265; 5087, 5158; 5272, 5442; 5572, 5806

36173 100, 1808 1, 177; 249, 318; 887, 946; 1033, 1169; 1306, 1390; 1480, 1601; 1685, 1887

36173 100, 1808 4, 177; 249, 318; 887, 946; 1033, 1169; 1306, 1390; 1480, 1601; 1685, 1887

36174 9397, 24172 1, 718; 9358, 9546; 12225, 12353; 12735, 12911; 14227, 14386; 18569, 18776; 19100, 19299; 19650, 19839; 22369, 22514; 23318, 23493; 24031, 24171

36174 9397, 32573 3499, 3515; 9358, 9546; 12225, 12353; 12735, 12911; 1
 4227, 14386; 18569, 18776; 19100, 19299; 19650, 19839; 22369, 22514; 23318, 23498; 24029, 242
 09; 26710, 26882; 27125, 27253; 28336, 28456; 29117, 29260; 29996, 30115; 30902, 31065; 32437
 , 32646
 36174 9397, 32573 3503, 3515; 9358, 9546; 12225, 12353; 12735, 12911; 1
 4227, 14386; 18569, 18776; 19100, 19299; 19650, 19839; 22369, 22514; 23318, 23498; 24029, 242
 09; 26710, 26882; 27125, 27253; 28336, 28456; 29117, 29260; 29996, 30115; 30902, 31065; 32437
 , 32704
 36175 8130, 10446 1, 41; 1745, 1777; 8066, 8454; 8646, 8753; 9371, 9517;
 10069, 10547; 10612, 11260
 36175 8130, 10446 1, 41; 1745, 1777; 8066, 8454; 8646, 8753; 9371, 9517;
 10069, 11611
 36176 385, 49370 1, 579; 37044, 37187; 38298, 38417; 38754, 38992; 4485
 7, 44982; 49285, 49798
 36176 385, 49370 270, 579; 37044, 37187; 38298, 38417; 38754, 38992; 44
 857, 44982; 49285, 49798
 36177 140, 13611 1, 142; 4757, 4834; 12453, 12582; 13549, 14237
 36177 140, 13611 1, 142; 4757, 4834; 7099, 7212; 12453, 12582; 13549, 14
 237
 36177 140, 17968 1, 142; 4757, 4834; 7099, 7212; 12453, 12582; 17948, 18
 308
 36177 140, 13555 1, 142; 4757, 4834; 7099, 7212; 13549, 14237
 36177 140, 13611 1, 142; 7099, 7212; 12453, 12582; 13549, 14237
 36178 242, 14864 105, 256; 2374, 2466; 3129, 3289; 4791, 5031; 5634, 579
 6; 6405, 6592; 10328, 10432; 11765, 11866; 13252, 13455; 14645, 16460
 36178 242, 14864 1, 256; 2374, 2466; 3129, 3289; 4791, 5031; 5634, 5796;
 6405, 6592; 10328, 10432; 11765, 11866; 13252, 13455; 14645, 17045
 36179 242, 14864 105, 256; 2374, 2466; 3129, 3289; 4791, 5031; 5634, 579
 6; 6405, 6592; 10328, 10432; 11765, 11866; 13252, 13455; 14645, 16460
 36179 242, 14864 1, 256; 2374, 2466; 3129, 3289; 4791, 5031; 5634, 5796;
 6405, 6592; 10328, 10432; 11765, 11866; 13252, 13455; 14645, 17045
 36180 123, 98953 11, 245; 28779, 28906; 56030, 56175; 60530, 60743; 855
 32, 85671; 90616, 90774; 98879, 100435
 36180 123, 98953 1, 245; 28779, 28906; 56030, 56175; 60530, 60743; 8553
 2, 85671; 90616, 90774; 98879, 100442
 36181 125, 24510 1, 928; 9661, 9756; 10587, 10820; 12267, 12465; 15101,
 15202; 17491, 17583; 19835, 19933; 22742, 22818; 24501, 24619; 25679, 25756; 26697, 26869
 36181 125, 24510 1, 928; 9661, 9756; 10587, 10820; 12267, 12465; 15101,
 15202; 17491, 17583; 19835, 19933; 22742, 22818; 24501, 24619; 25680, 25756; 26698, 26869
 36181 125, 25743 1, 928; 9661, 9756; 10587, 10820; 12267, 12465; 15101,
 15202; 17491, 17583; 19835, 19933; 22742, 22818; 25680, 26869
 36182 199, 37789 1, 410; 748, 793; 4163, 4212; 5041, 5097; 7013, 7052; 71
 47, 7245; 8829, 9037; 9899, 10599; 18032, 18104; 21978, 22066; 23349, 24560; 26731, 26808; 268
 88, 27015; 27429, 27579; 28730, 28795; 30081, 30545; 37694, 38868
 36182 199, 36398 141, 410; 748, 793; 4163, 4212; 5041, 5097; 7013, 7052;
 7147, 7245; 8829, 9037; 9899, 10599; 18032, 18104; 21978, 22066; 23349, 24560; 26731, 26808; 2
 6888, 27015; 27429, 27579; 28730, 28795; 30081, 30545; 36294, 36411; 37694, 38871
 36182 199, 37789 88, 410; 748, 793; 4163, 4212; 5041, 5097; 7013, 7052; 7
 147, 7245; 8829, 9037; 9899, 10599; 18032, 18104; 21978, 22066; 23349, 24560; 26731, 26808; 26
 888, 27015; 27429, 27579; 28730, 28795; 30081, 30545; 37694, 38867

36183 131,9034 1,366;679,1303;3414,3528;3676,3798;3989,4089;47
26,4824;5313,5436;6424,6546;7036,7191;7356,7477;8893,11113

36184 1373,253955 1,159;1341,1391;2100,2231;15732,15898;103988
,104152;136839,136937;148781,148834;155809,155859;158313,158437;160186,160355;16
1899,162035;167906,168050;179047,179167;182494,182650;193572,193674;207551,20766
5;212821,212997;217460,217526;221892,221991;229317,229358;231823,231873;232768,2
32869;233129,233301;238579,238688;246909,247000;253848,254025

36184 1373,253955 1,159;1342,1391;2100,2231;15732,15898;103988
,104152;136839,136937;148781,148834;155809,155859;158313,158437;160186,160355;16
1899,162035;167906,168050;179047,179167;182494,182650;193572,193674;207551,20766
5;212821,212997;217460,217526;221892,221991;229317,229358;231823,231873;232768,2
32869;233129,233301;238579,238688;246909,247000;253848,254025

36184 229316,253955 229316,229358;230040,230075;231823,231873;
232768,232869;233129,233301;238579,238688;246909,247000;253848,253954

36184 1373,253955 507,904;1341,1391;2100,2231;15732,15898;1039
88,104152;136839,136937;148781,148834;155809,155859;158313,158437;160186,160355;
161899,162035;167906,168050;179047,179167;182494,182650;193572,193674;207551,207
665;212821,212997;217460,217526;221892,221991;229317,229358;231823,231873;232768
,232869;233129,233301;238579,238688;246909,247000;253848,253954

36184 1373,253955 507,904;1341,1391;2100,2231;15732,15898;1039
88,104152;136839,136937;148781,148834;155809,155859;158313,158437;160186,160355;
161899,162035;167906,168050;179047,179167;182494,182650;193572,193674;207551,207
665;212821,212997;217460,217526;222707,222740;229317,229358;231823,231873;232768
,232869;233129,233301;238579,238688;246909,247000;253848,253954

36185 60,57166 1,176;3132,3222;7468,7566;10914,10987;13504,135
76;15327,15418;18333,18375;18524,18612;20945,21057;24019,24112;26823,26976;32150
,32520;35297,35445;46699,46807;48781,48844;54032,54196;55030,55122;55417,55530;5
6999,57359

36186 77,64377 1,96;4921,4951;8159,8304;21376,21467;22131,2213
8;22642,22716;24630,24713;45453,45530;59027,59137;60759,60881;64329,64414;65605,
67598

36186 77,64377 38,96;4921,4951;8159,8304;21376,21467;22131,221
38;22642,22716;24630,24713;45453,45530;59027,59137;60759,60881;64329,64414;65605
,67596

36186 77,65656 38,96;4921,4951;8159,8304;21376,21467;22131,221
38;22642,22716;24630,24713;45453,45530;59027,59137;60759,60881;65605,67596

36187 333,3823 1,417;660,677;2443,2605;2878,3149;3236,3402;349
6,4396

36187 333,3823 333,421;2378,2397;2443,2605;2878,3149;3236,3402
;3496,4396

36188 362,80652 1,478;24904,25033;31494,31552;45078,45189;4589
6,45925;46254,46301;48053,48167;48742,48813;68192,68271;74776,74854;79660,79833;
80585,82963

36188 362,74907 1,478;24904,25033;31494,31552;45078,45189;4589
6,45925;46254,46301;48053,48167;48742,48813;68192,68271;74776,74963

36188 362,79821 1,478;24904,25033;31494,31552;45078,45189;4589
6,45925;46254,46301;48053,48167;48742,48813;68192,68271;79660,79833;80585,82963

36188 362,80652 1,478;24904,25033;31494,31552;45078,45189;4589
6,45925;46254,46301;48053,48167;48742,48813;72393,72472;74776,74854;79660,79833;
80585,82963

36188 102787, 111578 26219, 26242; 102760, 102906; 103476, 103605; 10
 4826, 104884; 107958, 108066; 108224, 108253; 108689, 108736; 108861, 108975; 109084, 10915
 5; 110570, 110649; 110907, 110985; 111084, 111260; 111499, 111733
 36189 509, 25912 1, 65; 75, 95; 114, 594; 941, 990; 5504, 5609; 16989, 171
 15; 21006, 21121; 25833, 28769
 36189 283, 25912 283, 423; 428, 594; 941, 990; 5504, 5609; 16989, 17115;
 21006, 21121; 25833, 28769
 36190 9314, 31997 1, 649; 9290, 9423; 11756, 11869; 12381, 12548; 15977
 , 16188; 21174, 21342; 31831, 32796
 36190 9314, 31997 823, 899; 9290, 9423; 11756, 11869; 12381, 12548; 159
 77, 16188; 21174, 21342; 31831, 32720
 36191 100, 10940 1, 102; 5260, 5356; 6825, 6874; 7569, 7618; 8071, 8153;
 9168, 9241; 10868, 14536
 36191 100, 10940 1, 102; 5260, 5356; 6825, 6874; 7569, 7622; 7625, 7632;
 8086, 8153; 9168, 9241; 10868, 14536
 36192 17216, 31060 1, 222; 17198, 17331; 18371, 18570; 20001, 20061; 20
 238, 20400; 20495, 20526; 21915, 22000; 22246, 22375; 23668, 23768; 24398, 24494; 24721, 2482
 1; 24961, 25134; 25398, 25489; 26134, 26196; 27514, 27652; 27852, 28040; 28667, 28795; 30902,
 31509
 36192 17216, 31060 1, 222; 3898, 4009; 17198, 17331; 18371, 18570; 2000
 1, 20061; 20238, 20400; 20495, 20526; 21915, 22000; 22246, 22375; 23668, 23768; 24398, 24494;
 24721, 24821; 24961, 25134; 25398, 25489; 26134, 26196; 27514, 27652; 27852, 28040; 28667, 28
 795; 30902, 31509
 36193 2, 176898 1, 257; 38471, 38557; 89855, 89939; 94438, 94568; 10224
 5, 102446; 117771, 117859; 128438, 128532; 128765, 128860; 152114, 152236; 158380, 158518; 1
 59297, 159356; 160098, 160244; 162153, 162239; 164838, 164916; 165104, 165243; 167705, 1679
 29; 170713, 170806; 172920, 173009; 176684, 179761
 36193 92, 176898 1, 257; 38471, 38557; 89855, 89939; 94438, 94568; 1022
 45, 102446; 117771, 117859; 128438, 128532; 128765, 128860; 152114, 152236; 158380, 158518;
 159297, 159356; 160098, 160244; 162153, 162239; 164838, 164916; 165104, 165243; 167705, 167
 929; 170713, 170806; 172920, 173009; 176684, 179761
 36193 102247, 187679 38304, 38557; 89855, 89939; 94438, 94568; 102245
 , 102446; 117771, 117859; 128438, 128532; 128765, 128860; 152114, 152236; 158380, 158518; 15
 9297, 159356; 160098, 160244; 162153, 162239; 164838, 164916; 165104, 165243; 167705, 16792
 9; 170713, 170806; 172920, 173009; 185314, 185413; 186044, 186098; 187557, 190297
 36194 271, 55047 1, 329; 29023, 29175; 45414, 45517; 49757, 49837; 5171
 9, 51895; 54889, 57715
 36194 271, 55047 1, 329; 29023, 29175; 45414, 45517; 49757, 49837; 5171
 9, 51895; 54889, 57717
 36194 271, 54977 187, 329; 29023, 29175; 54889, 57717
 36195 752, 3969 1, 86; 528, 799; 1131, 1206; 1546, 1610; 2673, 2754; 2848
 , 2948; 3288, 3383; 3472, 3582; 3870, 4063
 36195 752, 3969 621, 799; 1131, 1206; 1546, 1610; 2673, 2754; 2848, 2948
 ; 3288, 3383; 3472, 3582; 3870, 7107
 36196 183602, 270199 182789, 182865; 183298, 184283; 191452, 191568;
 201993, 202079; 217116, 217166; 217957, 218084; 220045, 220198; 226875, 227177; 235109, 235
 141; 235239, 235332; 236876, 237079; 243799, 244016; 246109, 246232; 254677, 254829; 257362
 , 257485; 263967, 264096; 265536, 265664; 269954, 272005
 36196 183602, 270199 183211, 184283; 191452, 191568; 201993, 202079;
 217116, 217166; 217957, 218084; 220045, 220198; 226875, 227177; 235109, 235141; 235239, 235

332; 236876, 237079; 243799, 244016; 246109, 246232; 254677, 254829; 257362, 257485; 263967, 264096; 265533, 265664; 269954, 272005

36196 90462, 270199 1, 97; 7686, 7744; 52633, 52755; 90459, 90626; 1317
65, 131972; 144302, 144350; 145241, 145406; 146760, 146925; 148887, 148905; 150081, 150616;
151201, 151407; 158225, 158359; 162023, 162175; 174410, 174547; 175408, 175605; 176300, 176
549; 182794, 182865; 183298, 184283; 191452, 191568; 201993, 202079; 217116, 217166; 217957
, 218084; 220045, 220198; 226875, 227177; 235109, 235141; 235239, 235332; 236876, 237079; 24
3799, 244016; 246109, 246232; 254677, 254829; 257362, 257485; 263967, 264096; 265533, 26566
4; 269954, 272005

36196 90462, 270199 1, 97; 7686, 7744; 52633, 52755; 90459, 90626; 1317
65, 131972; 144302, 144350; 145241, 145406; 146760, 146925; 148887, 148905; 150081, 150616;
151201, 151407; 158225, 158359; 162023, 162175; 174410, 174547; 175408, 175605; 176300, 176
549; 182794, 182865; 183298, 184283; 191452, 191568; 201993, 202079; 217116, 217166; 217957
, 218084; 220045, 220198; 226875, 227177; 235109, 235141; 235239, 235332; 236876, 237079; 24
3799, 244016; 246109, 246232; 257362, 257485; 263967, 264096; 265533, 265664; 269954, 27200
5

36196 90462, 243852 1, 97; 7686, 7744; 52633, 52755; 90459, 90626; 1317
65, 131972; 144302, 144350; 145241, 145406; 146760, 146925; 148887, 148905; 150081, 150616;
151201, 151407; 158225, 158359; 162023, 162175; 174410, 174547; 175408, 175605; 176300, 176
549; 182794, 182865; 183298, 184283; 191452, 191568; 201993, 202079; 217116, 217166; 217957
, 218084; 220045, 220198; 226875, 227177; 235109, 235141; 235239, 235332; 243815, 244016; 24
6109, 246232; 254677, 254829; 257362, 257485; 263967, 264096; 265533, 265664; 269954, 27200
5

36196 90462, 270199 1, 97; 7686, 7744; 52633, 52755; 90459, 90626; 1317
65, 131972; 144302, 144350; 145241, 145406; 146760, 146925; 148887, 148905; 150081, 150616;
158225, 158359; 162023, 162175; 174410, 174547; 175408, 175605; 176300, 176549; 182794, 182
865; 183298, 184283; 191452, 191568; 201993, 202079; 217116, 217166; 217957, 218084; 220045
, 220198; 226875, 227177; 235109, 235141; 235239, 235332; 236876, 237079; 243799, 244016; 24
6109, 246232; 254677, 254829; 257362, 257485; 263967, 264096; 265533, 265664; 269954, 27200
5

36196 90462, 270199 1, 97; 7686, 7744; 52633, 52755; 90459, 90626; 1317
65, 131972; 144302, 144350; 145241, 145406; 146760, 146925; 148887, 148905; 150081, 150616;
158225, 158359; 162023, 162175; 174410, 174547; 175408, 175605; 176300, 176549; 182794, 182
865; 183298, 184283; 191452, 191568; 201993, 202079; 217116, 217166; 217957, 218084; 220045
, 220198; 226875, 227177; 235109, 235141; 235239, 235332; 236876, 237079; 243799, 244016; 24
6109, 246232; 257362, 257485; 263967, 264096; 265533, 265664; 269954, 272005

36196 90462, 270199 1, 97; 7686, 7744; 52633, 52755; 90459, 90626; 1317
65, 131976; 144306, 144350; 145241, 145406; 146760, 146925; 148887, 148905; 150081, 150616;
151201, 151407; 158225, 158359; 162023, 162175; 174410, 174547; 175408, 175605; 176300, 176
549; 182794, 182865; 183298, 184283; 191452, 191568; 201993, 202079; 217116, 217166; 217957
, 218084; 220045, 220198; 226875, 227177; 235109, 235141; 235239, 235332; 236876, 237079; 24
3799, 244016; 246109, 246232; 257362, 257485; 263967, 264096; 265533, 265664; 269954, 27200
5

36196 90462, 270199 1, 97; 7686, 7744; 52633, 52755; 90459, 90626; 1317
65, 131976; 144306, 144350; 145241, 145406; 146760, 146935; 146987, 146995; 150081, 150616;
151201, 151407; 158225, 158359; 162023, 162175; 174410, 174547; 175408, 175605; 176300, 176
549; 182794, 182865; 183298, 184283; 191452, 191568; 201993, 202079; 217116, 217166; 217957
, 218084; 220045, 220198; 226875, 227177; 235109, 235141; 235239, 235332; 236876, 237079; 24
3799, 244016; 246109, 246232; 254677, 254829; 257362, 257485; 263967, 264096; 265533, 26566
4; 269954, 272005

36196 90462, 243852 1, 97; 7686, 7744; 52633, 52755; 90459, 90626; 1317
65, 131976; 144306, 144350; 145241, 145406; 146760, 146935; 146987, 146995; 150081, 150616;
151201, 151407; 158225, 158359; 162023, 162175; 174410, 174547; 175408, 175605; 176300, 176
549; 182794, 182865; 183298, 184283; 191452, 191568; 201993, 202079; 217116, 217166; 217957
, 218084; 220045, 220198; 226875, 227177; 235109, 235141; 235239, 235332; 243815, 244016; 24
6109, 246232; 254677, 254829; 257362, 257485; 263967, 264096; 265533, 265664; 269954, 27200
5

36196 90462, 270199 1, 97; 7686, 7744; 52633, 52755; 90459, 90626; 1317
65, 131976; 144306, 144350; 145241, 145406; 146760, 146935; 146987, 146995; 150081, 150616;
158225, 158359; 162023, 162175; 174410, 174547; 175408, 175605; 176300, 176549; 182794, 182
865; 183298, 184283; 191452, 191568; 201993, 202079; 217116, 217166; 217957, 218084; 220045
, 220198; 226875, 227177; 235109, 235141; 235239, 235332; 236876, 237079; 243799, 244016; 24
6109, 246232; 254677, 254829; 257362, 257485; 263967, 264096; 265533, 265664; 269954, 27200
5

36196 183602, 270199 1, 97; 7686, 7744; 52633, 52755; 90459, 90626; 144
302, 144350; 145241, 145406; 146760, 146925; 148887, 148905; 150081, 150616; 151201, 151407
; 158225, 158359; 162023, 162175; 174410, 174547; 175408, 175605; 176300, 176549; 182794, 18
2865; 183298, 184283; 191452, 191568; 201993, 202079; 217116, 217166; 217957, 218084; 22004
5, 220198; 226875, 227177; 235109, 235141; 235239, 235332; 236876, 237079; 243799, 244016; 2
46109, 246232; 254677, 254829; 257362, 257485; 263967, 264096; 265533, 265664; 269954, 2702
51

36196 264009, 270199 263620, 264096; 265533, 265664; 269954, 272005

36196 264009, 270199 263620, 264096; 265536, 265664; 269954, 272005

36196 90462, 270199 52640, 52755; 90459, 90626; 131765, 131976; 14430
6, 144350; 145241, 145406; 146760, 146925; 148887, 148905; 150081, 150616; 151201, 151407; 1
58225, 158359; 162023, 162175; 174410, 174547; 175408, 175605; 176300, 176549; 182794, 1828
65; 183298, 184283; 191452, 191568; 201993, 202079; 217116, 217166; 217957, 218084; 220045,
220198; 226875, 227177; 229896, 229902; 235117, 235135; 235138, 235141; 235239, 235332; 236
876, 237079; 243799, 244016; 246109, 246232; 257362, 257485; 263967, 264096; 265533, 265664
; 269954, 270260

36197 28, 7676 18, 93; 4185, 4295; 4392, 4554; 6240, 6320; 7542, 8004

36197 13358, 25613 1, 93; 4185, 4295; 4392, 4554; 13139, 13457; 17989, 1
8024; 18252, 18372; 20668, 20783; 20880, 21027; 21341, 21484; 24393, 24650; 25507, 26391

36197 28, 7676 2, 93; 4185, 4295; 4392, 4554; 6240, 6320; 7542, 8004

36198 166486, 277556 100830, 101382; 166486, 166547; 172510, 172601;
180694, 180751; 180868, 181019; 184539, 185205; 199733, 199813; 202344, 203273; 203630, 203
800; 204514, 204547; 205136, 205195; 205958, 206097; 208746, 208841; 211087, 211330; 211775
, 212351; 213167, 213392; 222941, 223067; 236539, 236686; 240621, 240710; 240802, 240888; 24
2411, 242588; 244783, 244955; 247046, 247201; 248503, 248639; 249245, 249392; 249572, 24971
7; 250971, 251146; 254074, 254218; 254989, 255265; 261813, 261964; 264559, 264664; 265319, 2
65526; 267927, 268060; 270052, 270207; 272167, 272310; 273401, 273525; 277213, 277368; 2774
69, 278454

36198 180744, 277556 100830, 101382; 166490, 166547; 172510, 172601;
180694, 180751; 180868, 181019; 184539, 185205; 199733, 199813; 202344, 203273; 203630, 203
800; 204514, 204548; 205134, 205195; 205958, 206097; 208746, 208841; 211087, 211330; 211775
, 212351; 213167, 213392; 222941, 223067; 236539, 236686; 240621, 240710; 240802, 240888; 24
2411, 242588; 244783, 244955; 247046, 247201; 248503, 248639; 249245, 249392; 249572, 24971
7; 250971, 251146; 254074, 254218; 254989, 255265; 261813, 261964; 264559, 264664; 265319, 2
65526; 267927, 268060; 270052, 270207; 272167, 272310; 273401, 273525; 277213, 277368; 2774
69, 278454

36198 166486,277556 1,51;49150,49249;77733,77833;166486,166547
;172510,172601;180694,180751;180868,181019;184539,185205;204514,204547;205136,20
5195;205958,206097;211087,211330;211775,212351;213167,213392;222941,223067;23653
9,236686;240621,240710;240802,240888;242411,242588;244783,244955;247046,247201;2
48503,248639;249245,249392;249572,249717;250971,251146;254074,254218;254989,2552
65;261813,261964;264559,264664;265319,265526;267927,268060;270052,270207;272167,
272310;273401,273525;277213,277368;277469,278454

36198 180744,277556 1,51;49151,49249;77734,77833;166490,166547
;172510,172601;180694,180751;180868,181019;184539,185205;204514,204548;205134,20
5195;205958,206097;211087,211330;211775,212351;213167,213392;222941,223067;23653
9,236686;240621,240710;240802,240888;242411,242588;244783,244955;247046,247201;2
48503,248639;249245,249392;249572,249717;250971,251146;254074,254218;254989,2552
65;261813,261964;264559,264664;265319,265526;267927,268060;270052,270207;272167,
272310;273401,273525;277213,277368;277469,278454

36199 166486,277556 100830,101382;166486,166547;172510,172601;
180694,180751;180868,181019;184539,185205;199733,199813;202344,203273;203630,203
800;204514,204547;205136,205195;205958,206097;208746,208841;211087,211330;211775
,212351;213167,213392;222941,223067;236539,236686;240621,240710;240802,240888;24
2411,242588;244783,244955;247046,247201;248503,248639;249245,249392;249572,24971
7;250971,251146;254074,254218;254989,255265;261813,261964;264559,264664;265319,2
65526;267927,268060;270052,270207;272167,272310;273401,273525;277213,277368;2774
69,278454

36199 180744,277556 100830,101382;166490,166547;172510,172601;
180694,180751;180868,181019;184539,185205;199733,199813;202344,203273;203630,203
800;204514,204548;205134,205195;205958,206097;208746,208841;211087,211330;211775
,212351;213167,213392;222941,223067;236539,236686;240621,240710;240802,240888;24
2411,242588;244783,244955;247046,247201;248503,248639;249245,249392;249572,24971
7;250971,251146;254074,254218;254989,255265;261813,261964;264559,264664;265319,2
65526;267927,268060;270052,270207;272167,272310;273401,273525;277213,277368;2774
69,278454

36199 166486,277556 1,51;49150,49249;77733,77833;166486,166547
;172510,172601;180694,180751;180868,181019;184539,185205;204514,204547;205136,20
5195;205958,206097;211087,211330;211775,212351;213167,213392;222941,223067;23653
9,236686;240621,240710;240802,240888;242411,242588;244783,244955;247046,247201;2
48503,248639;249245,249392;249572,249717;250971,251146;254074,254218;254989,2552
65;261813,261964;264559,264664;265319,265526;267927,268060;270052,270207;272167,
272310;273401,273525;277213,277368;277469,278454

36199 180744,277556 1,51;49151,49249;77734,77833;166490,166547
;172510,172601;180694,180751;180868,181019;184539,185205;204514,204548;205134,20
5195;205958,206097;211087,211330;211775,212351;213167,213392;222941,223067;23653
9,236686;240621,240710;240802,240888;242411,242588;244783,244955;247046,247201;2
48503,248639;249245,249392;249572,249717;250971,251146;254074,254218;254989,2552
65;261813,261964;264559,264664;265319,265526;267927,268060;270052,270207;272167,
272310;273401,273525;277213,277368;277469,278454

36200 74,25069 1,131;3640,3688;8568,8618;9195,9330;14501,14593
;17626,17728;18100,18214;19168,19345;19707,19944;23306,23468;24455,24646;25008,2
6459

36200 74,25069 4,131;3640,3688;8568,8618;9195,9330;14501,14593
;17626,17728;18100,18214;19168,19345;19707,19944;23306,23468;24455,24646;25008,2
6459

36200	74,25069	4,131;3640,3688;8568,8618;9195,9330;17626,17728 ;18100,18214;19168,19345;19707,19944;23306,23468;24455,24646;25008,26459
36201	74,25069	1,131;3640,3688;8568,8618;9195,9330;14501,14593 ;17626,17728;18100,18214;19168,19345;19707,19944;23306,23468;24455,24646;25008,2 6459
36201	74,25069	4,131;3640,3688;8568,8618;9195,9330;14501,14593 ;17626,17728;18100,18214;19168,19345;19707,19944;23306,23468;24455,24646;25008,2 6459
36201	74,25069	4,131;3640,3688;8568,8618;9195,9330;17626,17728 ;18100,18214;19168,19345;19707,19944;23306,23468;24455,24646;25008,26459
36202	6863,7136	1,158;6784,8591
36203	217,89361	158,787;14826,14937;52890,52942;54446,54613;59 041,59063;66993,67177;69131,69243;70415,70523;71969,72159;73767,73914;77170,7729 1;79201,79352;85958,86069;89230,90223
36203	664,73903	158,787;14826,14937;52890,52942;54446,54613;59 041,59063;72042,72159;73767,73849;73852,73902
36203	217,89361	1,787;14826,14937;52890,52942;54446,54613;5904 1,59063;66993,67177;69131,69243;70415,70523;71969,72159;73767,73914;77170,77291; 79201,79352;85958,86069;89230,90219
36204	3046,9656	1,40;3012,3052;4602,4637;4810,4973;5724,5840;9 151,9342;9587,11273
36204	3046,9656	3046,3052;4602,4637;4810,4973;5724,5840;9151,9 342;9587,9823
36205	792,11980	1,36;750,816;3795,3855;5187,5327;5528,5615;712 2,7210;11937,12083
36205	792,11980	2,36;750,816;3795,3855;5187,5327;5528,5615;712 2,7210;11937,12083
36206	165,18660	1,425;492,677;4940,5115;11185,11290;14350,1444 2;17037,17248;18512,20434
36206	165,18660	1,425;4940,5115;11185,11290;14350,14442;17037, 17248;18512,20434
36207	84,8952	1,100;6470,6545;8773,8774;8872,8900;8905,9058;10 318,12636
36207	84,10434	1,100;6470,6545;8872,9058;10318,12636
36207	84,10434	6,100;6470,6545;8872,9058;10318,12642
36208	4722,17716	1,188;4092,4163;4719,4895;9583,9787;10717,108 45;13708,13866;15248,15640;16350,16468;17491,18218
36209	4889,12467	1,350;705,911;3124,3240;3763,5041;12323,12553
36210	287,3764	1,6454;6463,7238
36210	287,3764	2,873,763
36211	27,21314	1,236;1801,1986;2299,2483;2669,2811;6008,6195;7 139,7291;7506,7684;7769,7915;11844,11928;14303,14479;17752,17887;21147,21522
36211	27,21314	27,236;1801,1986;2299,2483;2669,2811;6008,6195; 7506,7684;7769,7915;11844,11928;14303,14479;17752,17887;21147,21522
36212	177474,237536	1,170;113458,113576;148463,148534;170159,1 70234;173118,173164;174749,174844;176143,176232;177462,177554;181141,181251;1813 65,181501;184953,185141;202910,202976;216367,216464;219861,219942;224252,224343; 224426,224515;224672,224841;225033,225168;233492,233603;234555,234662;237359,237 808
36212	70887,237536	70782,71025;113458,113576;148463,148534;170

159,170234;171329,171391;173118,173164;174749,174844;176143,176232;177462,177554
;181141,181251;181365,181501;184953,185141;202910,202976;216367,216464;219861,21
9942;224252,224343;224426,224515;224672,224841;225033,225168;233492,233603;23455
5,234662;237359,239255

36212 70887,237536 70782,71025;113458,113576;148463,148534;170
159,170234;173118,173164;174749,174844;176143,176232;177462,177554;181141,181251
;181365,181501;184953,185141;202910,202976;216367,216464;219861,219942;224252,22
4343;224426,224515;224672,224841;225033,225168;233492,233603;234555,234662;23735
9,239255

36212 70887,237536 70865,71025;113458,113576;148463,148534;170
159,170234;173118,173164;174749,174844;176143,176232;177462,177554;181141,181251
;181365,181501;184953,185141;202910,202976;216367,216464;219861,219942;224252,22
4343;224426,224515;224672,224841;225033,225168;233492,233603;234555,234662;23735
9,239255

36213 106450,168085 1,240;106429,106508;108099,108175;118478,1
18545;119576,119737;119865,120014;122879,122961;123509,123645;127302,127375;1286
61,128787;130816,130904;131248,131322;135108,135256;138395,138578;142141,142274;
147571,147679;148555,148698;157737,157959;164994,165174;166114,166243;167971,169
259

36213 106450,168085 13,240;106429,106508;108099,108175;118478,
118545;119576,119743;119865,120014;122879,122961;123509,123645;127302,127375;128
661,128787;130816,130904;131248,131322;135108,135256;138395,138578;142141,142274
;147571,147679;148555,148698;157737,157959;164994,165174;166114,166243;167971,16
9237

36214 3599,30554 1,138;3587,3765;5130,5300;7681,7781;8903,9019
;11474,11557;12074,12154;16226,16377;17703,17835;21338,21426;22469,22563;23423,2
3485;26360,26403;27758,27854;28968,29023;29103,29199;29754,29898;30470,30563;319
67,32863

36214 3599,30554 80,138;3587,3765;5130,5300;7681,7781;8903,901
9;11474,11557;12074,12154;16226,16377;17703,17835;21338,21426;22469,22563;23423,
23485;26360,26403;27758,27854;28968,29023;29103,29199;29754,29898;30470,30563;31
967,32865

36215 43,11746 1,119;3394,3546;3668,3731;5859,5980;6418,6575;6
724,6845;9644,9712;10107,10263;10394,10494;10992,11070;11370,11510;11657,11764;1
2494,13314

36215 43,11746 1,119;3394,3546;3668,3731;5859,5980;6418,6575;6
724,6845;9644,9712;10107,10263;10394,10497;10992,11070;11370,11510;11657,11764;1
2494,13314

36215 11936,12993 11922,12120;12494,13313

36215 11936,12993 11937,12120;12494,13319

36216 71,14199 1,138;3677,3940;12393,12698;12945,13232;13315,1
3569;13695,13940;14027,15527

36216 71,14199 15,138;3677,3940;12393,12698;12945,13232;13315,
13569;13695,13940;14027,15527

36217 18114,39836 1,79;7797,8183;18114,18312;19932,20041;20441
,20533;21149,21246;23481,23562;23887,24015;24147,24272;25188,25400;27356,27496;2
7582,27746;30914,31021;31618,31793;32671,32783;34002,34121;37287,37465;38262,384
25;39259,39391;39788,41087

36217 18114,39836 1,79;7797,8183;18114,18312;19932,20041;21149
,21246;23481,23562;23887,24015;24147,24272;25188,25400;27356,27496;27582,27746;3

0914,31021;31618,31793;32671,32783;34002,34121;37287,37465;38262,38425;39259,39391;39788,41087

36217 18114,39836 21,79;7797,8183;18114,18312;19932,20041;21149,21246;23481,23562;23887,24015;24147,24272;25188,25400;27356,27496;27582,27746;30914,31021;31024,31050;31645,31793;32671,32783;34002,34121;37287,37465;38262,38425;39259,39391;39788,41087

36217 18114,39836 40,79;7797,8183;18114,18312;19932,20041;20441,20533;21149,21246;23481,23562;23887,24015;24147,24272;25188,25400;27356,27496;27582,27746;30914,31021;31024,31050;31645,31793;32671,32783;34002,34121;37287,37465;38262,38425;39259,39391;39788,41087

36217 41844,49470 41110,41346;41827,41954;44026,44204;48276,48435;49350,49473;49812,49850;49954,51040

36217 18114,39836 52,79;18114,18312;19932,20041;21149,21246;23481,23562;23887,24015;24147,24272;25188,25400;27356,27391;27393,27458;27461,27496;27582,27746;30914,31021;31024,31050;31645,31793;32671,32783;34002,34121;37287,37465;38262,38425;39259,39391;39788,40709

36218 8068,23882 1,69;8054,8788;15593,15768;15871,15927;16011,16096;16207,16270;16690,16839;17206,17333;17433,17438;17727,17868;17986,18070;18343,18426;23200,23315;23453,23629;23714,24290

36218 8068,41915 1,69;8054,8788;15593,15768;15871,15927;16011,16096;16207,16270;16690,16839;17206,17333;17433,17438;17727,17868;17986,18070;18343,18426;23200,23315;23453,23629;24136,24291;41900,41914

36218 8068,23882 1,69;8054,8788;15593,15768;15871,15927;16011,16096;16207,16270;16690,16839;17206,17333;17727,17841;17986,18070;18343,18426;23200,23315;23453,23629;23714,24290

36218 8068,23882 345,430;8054,8788;15593,15768;15871,15927;16011,16096;16207,16270;16690,16839;17206,17333;17433,17438;17727,17868;17986,18070;18343,18426;23200,23315;23453,23629;23714,24290

36218 8068,23882 345,430;8054,8788;15593,15768;15871,15927;16011,16096;16207,16270;16690,16839;17206,17333;17727,17868;17986,18070;18343,18426;23200,23315;23453,23629;23714,24290

36218 8068,23882 345,430;8054,8788;15593,15768;15871,15927;16011,16096;16207,16270;16690,16839;17206,17337;17725,17841;17986,18070;18343,18426;23200,23315;23453,23629;23714,24290

36219 120,4023 1,370;1142,1269;2671,2812;3839,4278

36219 267,4023 206,370;1142,1269;2671,2812;3839,4278

36220 66,103334 1,146;47746,47956;49465,49611;55999,56076;57375,57426;94474,94598;97709,97910;99947,100011;101934,101995;102437,102482;103221,104262

36220 66,103334 6,146;47746,47956;49465,49611;55999,56076;57375,57426;94474,94598;97709,97910;99947,100011;101934,101995;102437,102482;103221,104262

36221 198,36967 1,285;14973,15027;22571,22675;24628,24711;26983,27029;29899,29984;31404,31449;33422,33533;34487,34623;36602,36668;36855,43203

36221 198,36967 1,285;14973,15027;22571,22675;26983,27029;29899,29984;31404,31449;33422,33533;34487,34623;36602,36668;36855,37081

36221 18051,18540 14968,15027;17858,19764

36221 18051,18540 9804,9914;13043,13551;14973,15027;17858,19762

36222 99,4141 1,180;1844,2023;2164,2303;2773,2986;3085,3244;34

64,3555;3629,3764;3838,3952;4033,4244

36222 99,4141 1,180;943,1365;1844,2023;2164,2303;2773,2986;308

5,3244;3464,3555;3629,3764;3838,3952;4033,4244

36222 99,4091 70,180;943,1365;1844,2023;2164,2303;2773,2986;30

85,3244;3464,3555;3629,3713;4069,4272

36222 963,2850 72,656;943,1365;2773,4239

36223 475,40987 1,560;1719,1941;2229,2329;2963,3139;12050,1213

0;12266,12381;19027,19237;19553,19692;20247,20397;20777,20803;23966,24098;24699,

24790;29597,29692;29826,29903;33434,33526;33929,34050;34682,34791;37535,37694;38

576,38712;40636,42848

36223 475,40987 1,560;1719,1941;2229,2329;2963,3139;12050,1213

0;12266,12381;19027,19237;19553,19692;20247,20397;23966,24098;24699,24790;29597,

29692;29826,29903;33434,33526;33929,34050;34682,34791;37535,37694;38576,38712;40

636,42848

36223 475,40987 1,92;108,560;1719,1941;2229,2329;2963,3139;120

50,12130;12266,12381;19027,19237;19553,19692;20247,20397;20777,20803;23966,24098

;24699,24790;29597,29692;29826,29903;33434,33526;33929,34050;34682,34791;37535,3

7694;38576,38712;40636,42848

36223 475,40987 1,92;108,560;1719,1941;2229,2329;2963,3139;120

50,12130;12266,12381;19027,19237;19553,19692;20247,20397;23966,24098;24699,24790

;29597,29692;29826,29903;33434,33526;33929,34050;34682,34791;37535,37694;38576,3

8712;40636,42848

36224 475,40987 1,560;1719,1941;2229,2329;2963,3139;12050,1213

0;12266,12381;19027,19237;19553,19692;20247,20397;20777,20803;23966,24098;24699,

24790;29597,29692;29826,29903;33434,33526;33929,34050;34682,34791;37535,37694;38

576,38712;40636,42848

36224 475,40987 1,560;1719,1941;2229,2329;2963,3139;12050,1213

0;12266,12381;19027,19237;19553,19692;20247,20397;23966,24098;24699,24790;29597,

29692;29826,29903;33434,33526;33929,34050;34682,34791;37535,37694;38576,38712;40

636,42848

36224 475,40987 1,92;108,560;1719,1941;2229,2329;2963,3139;120

50,12130;12266,12381;19027,19237;19553,19692;20247,20397;20777,20803;23966,24098

;24699,24790;29597,29692;29826,29903;33434,33526;33929,34050;34682,34791;37535,3

7694;38576,38712;40636,42848

36224 475,40987 1,92;108,560;1719,1941;2229,2329;2963,3139;120

50,12130;12266,12381;19027,19237;19553,19692;20247,20397;23966,24098;24699,24790

;29597,29692;29826,29903;33434,33526;33929,34050;34682,34791;37535,37694;38576,3

8712;40636,42848

36225 96,16989 1,227;8482,8619;11821,11863;14159,14263;16561,1

7805

36226 152,18643 1,267;3365,3565;4665,4728;11608,11697;16525,16

600;16909,17023;18621,22213

36226 152,18643 152,267;3365,3565;4665,4728;11608,11697;16525,

16600;16909,17023;18621,18722

36227 43,424 12,223

36227 43,424 43,423

36228 120,30701 1,562;27154,27383;28455,28595;30537,31033

36228 120,30701 27,562;27154,27383;28455,28595;30537,31030

36229 1,46962 1,214;24014,24099;38500,38752;39641,39976;41240,

41455;41798,41956;46774,48261

36229 24013,46962 12461,12506;24014,24099;38500,38752;39641,39
976;41240,41455;41798,41956;46774,48261

36229 24013,46962 47,214;24014,24099;38500,38752;39641,39976;4
1240,41455;41798,41956;46774,48261

36229 187,46962 7,214;24014,24099;38500,38752;39641,39976;4124
0,41455;41798,41956;46774,48261

36230 2,61068 1,191;13143,13250;17148,17255;23586,23711;27930,
27988;28793,28927;30699,30760;32688,32767;37073,37178;38922,39085;41257,41352;45
007,45104;48691,48811;49201,49358;57458,57572;57832,57959;58818,58985;60181,6034
2;61023,61985

36230 59,61068 58,191;13143,13250;17148,17255;23586,23711;2793
0,27988;28793,28927;30699,30760;32688,32767;32944,32997;37073,37178;38922,39085;
41257,41352;45007,45104;48691,48811;49201,49358;57458,57572;57832,57959;58818,58
985;60181,60342;61023,61981

36230 185,61068 63,191;13143,13250;17148,17255;23586,23711;279
30,27988;28793,28927;30699,30760;32688,32767;37073,37178;38922,39085;41257,41352
;45007,45104;48691,48811;49201,49358;57458,57572;57832,57959;58818,58985;60181,6
0342;61023,61981

36231 2,61068 1,191;13143,13250;17148,17255;23586,23711;27930,
27988;28793,28927;30699,30760;32688,32767;37073,37178;38922,39085;41257,41352;45
007,45104;48691,48811;49201,49358;57458,57572;57832,57959;58818,58985;60181,6034
2;61023,61985

36231 59,61068 58,191;13143,13250;17148,17255;23586,23711;2793
0,27988;28793,28927;30699,30760;32688,32767;32944,32997;37073,37178;38922,39085;
41257,41352;45007,45104;48691,48811;49201,49358;57458,57572;57832,57959;58818,58
985;60181,60342;61023,61981

36231 185,61068 63,191;13143,13250;17148,17255;23586,23711;279
30,27988;28793,28927;30699,30760;32688,32767;37073,37178;38922,39085;41257,41352
;45007,45104;48691,48811;49201,49358;57458,57572;57832,57959;58818,58985;60181,6
0342;61023,61981

36232 0,451221 1,494;1551,1621;73585,73882;163258,163427;18746
9,187636;239532,239756;241253,241527;270228,270330;274756,274827;296338,296460;3
05353,305520;309960,310187;312264,312286;315398,315500;315970,316068;326332,3264
57;327641,327766;328477,328599;332715,332834;345836,345958;353127,353249;354198,
354320;362110,362232;367820,367945;395514,395639;400043,400186;413273,413455;414
105,414191;416066,416194;416892,417032;418009,418179;441860,441982;449809,449958
;451040,452182

36232 0,451221 1,494;1551,1621;73585,73882;163258,163427;18746
9,187636;239532,239756;241253,241527;270228,270330;274756,274827;296338,296460;3
05353,305520;309960,310187;312264,312286;315398,315506;315973,316068;326332,3264
57;327641,327766;328477,328599;332715,332834;345836,345958;353127,353249;354198,
354320;362110,362232;367820,367945;395514,395639;400043,400186;413273,413455;414
105,414191;416066,416194;416892,417032;418009,418179;441860,441982;449809,449958
;451040,452182

36232 0,451221 1,494;1551,1621;73585,73882;163258,163427;23957
2,239589;241253,241527;270228,270330;274756,274827;296338,296460;305353,305520;3
09960,310187;312264,312286;315398,315497;315970,316068;326332,326457;327641,3277
66;328477,328599;332715,332834;345836,345958;353127,353249;354198,354320;362110,
362232;367820,367945;395514,395639;400043,400186;413273,413455;414105,414191;416
066,416194;416892,417032;418009,418179;441860,441982;449809,449958;451040,452182

36232 187413,451221 187286,187636;239532,239756;241253,241527;
270228,270330;274756,274827;296338,296460;305353,305520;309960,310187;312264,312
286;315398,315497;315970,316068;326332,326457;327641,327766;328477,328599;332715
,332834;345836,345958;353127,353249;354198,354320;362110,362232;367820,367945;39
5514,395639;400043,400186;413273,413455;414105,414191;416066,416194;416892,41703
2;418009,418179;441860,441982;449809,449958;451040,452182

36232 187413,451221 187286,187636;239532,239756;241253,241527;
270228,270330;274756,274827;296338,296460;305353,305520;309960,310187;312264,312
286;315398,315500;315970,316068;326332,326457;327641,327766;328477,328599;332715
,332834;345836,345958;353127,353249;354198,354320;362110,362232;367820,367945;39
5514,395639;400043,400186;413273,413455;414105,414191;416066,416194;416892,41703
2;418009,418179;441860,441982;449809,449958;451040,452182

36233 0,451221 1,494;1551,1621;73585,73882;163258,163427;18746
9,187636;239532,239756;241253,241527;270228,270330;274756,274827;296338,296460;3
05353,305520;309960,310187;312264,312286;315398,315500;315970,316068;326332,3264
57;327641,327766;328477,328599;332715,332834;345836,345958;353127,353249;354198,
354320;362110,362232;367820,367945;395514,395639;400043,400186;413273,413455;414
105,414191;416066,416194;416892,417032;418009,418179;441860,441982;449809,449958
;451040,452182

36233 0,451221 1,494;1551,1621;73585,73882;163258,163427;18746
9,187636;239532,239756;241253,241527;270228,270330;274756,274827;296338,296460;3
05353,305520;309960,310187;312264,312286;315398,315506;315973,316068;326332,3264
57;327641,327766;328477,328599;332715,332834;345836,345958;353127,353249;354198,
354320;362110,362232;367820,367945;395514,395639;400043,400186;413273,413455;414
105,414191;416066,416194;416892,417032;418009,418179;441860,441982;449809,449958
;451040,452182

36233 0,451221 1,494;1551,1621;73585,73882;163258,163427;23957
2,239589;241253,241527;270228,270330;274756,274827;296338,296460;305353,305520;3
09960,310187;312264,312286;315398,315497;315970,316068;326332,326457;327641,3277
66;328477,328599;332715,332834;345836,345958;353127,353249;354198,354320;362110,
362232;367820,367945;395514,395639;400043,400186;413273,413455;414105,414191;416
066,416194;416892,417032;418009,418179;441860,441982;449809,449958;451040,452182

36233 187413,451221 187286,187636;239532,239756;241253,241527;
270228,270330;274756,274827;296338,296460;305353,305520;309960,310187;312264,312
286;315398,315497;315970,316068;326332,326457;327641,327766;328477,328599;332715
,332834;345836,345958;353127,353249;354198,354320;362110,362232;367820,367945;39
5514,395639;400043,400186;413273,413455;414105,414191;416066,416194;416892,41703
2;418009,418179;441860,441982;449809,449958;451040,452182

36233 187413,451221 187286,187636;239532,239756;241253,241527;
270228,270330;274756,274827;296338,296460;305353,305520;309960,310187;312264,312
286;315398,315500;315970,316068;326332,326457;327641,327766;328477,328599;332715
,332834;345836,345958;353127,353249;354198,354320;362110,362232;367820,367945;39
5514,395639;400043,400186;413273,413455;414105,414191;416066,416194;416892,41703
2;418009,418179;441860,441982;449809,449958;451040,452182

36234 82762,86570 1,184;50791,50937;53306,53410;58003,58072;82
740,82913;86491,87242

36234 82762,86570 1,184;50791,50937;58003,58072;82740,82913;86
491,87242

36234 82762,86570 1,184;58003,58072;82740,82913;86491,87242

36234 82762,86570 82514,82913;86491,87242

36235 66,11516 1,90;1315,1430;1530,1586;3272,3419;3499,3561;37
99,3903;4013,4141;4859,5005;5105,5299;6757,6866;10239,10371;10597,10736;10817,10
938;11368,11820

36235 66,11516 1,90;1315,1430;1530,1586;3272,3419;3499,3561;37
99,3903;4013,4141;4859,5005;5105,5299;6757,6866;10239,10371;10597,10736;10817,10
938;11368,11822

36235 66,11516 28,90;1315,1430;1530,1586;3272,3419;3499,3561;3
799,3903;4013,4141;4859,5005;5105,5299;6334,6501;6757,6866;10239,10371;10597,107
36;10817,10938;11368,11789

36236 129,15686 1,131;7084,7125;10447,10545;13288,13471;15594,
16241

36237 129,15686 1,131;7084,7125;10447,10545;13288,13471;15594,
16241

36238 24,238040 1,100;36073,36162;38430,38568;41665,41764;5033
9,50446;54195,54275;86107,86222;118969,119032;126342,126437;127579,127776;132174
,132231;132811,132888;135047,135205;149500,149594;179709,179764;180273,180366;18
7207,187290;187774,187878;189218,189300;189505,189595;199180,199241;199331,19949
3;200393,200474;202351,202408;203559,203649;207889,208091;227715,227849;232052,2
32181;235055,235162;237122,237262;237903,238919

36238 24,238040 1,100;36073,36162;38430,38568;41665,41764;5033
9,50446;54195,54275;86107,86222;118969,119032;126342,126437;127579,127776;132174
,132231;132811,132888;135047,135205;149500,149594;179709,179764;180273,180366;18
7207,187290;187774,187878;189218,189300;189505,189595;199180,199241;199331,19949
3;200393,200474;202351,202408;203559,203649;207889,208091;227715,227849;232052,2
32181;235055,235162;237122,237262;237903,239017

36238 36071,238040 36072,36162;38430,38568;41665,41764;50339,5
0446;54195,54275;86107,86222;118969,119032;126342,126437;127579,127776;132174,13
2231;132811,132888;135047,135205;149500,149594;179709,179764;180273,180366;18720
7,187290;187774,187878;189218,189300;189505,189595;199180,199241;199331,199493;2
00393,200474;202351,202408;204616,204706;207889,208091;227715,227849;232052,2321
81;235055,235162;237122,237262;237903,239022

36239 518,5529 1,43;501,612;1661,1725;1815,1919;2306,2400;2709
,2785;2869,2958;3059,3115;3442,3515;3601,3650;3763,3907;4010,4078;4978,5057;5220
,5280;5365,5656

36240 264,126429 1,310;101116,101177;104139,104267;105976,1060
74;107039,107121;118555,118681;119668,119763;124622,124744;126421,127233

36240 264,157244 1,310;101116,101177;104139,104267;105976,1060
74;107039,107121;118555,118681;119668,119763;124622,124744;136092,136256;157119,
160435

36240 66300,157244 66208,66487;101116,101177;104139,104267;105
976,106074;107039,107121;118555,118681;119668,119763;124622,124744;136092,136256
;157119,160435

36240 101111,124744 86634,86952;95268,95291;96972,96995;101108
,101177;104139,104267;105976,106074;107039,107121;118555,118681;119668,119763;12
4622,124744;126418,127233

36241 264,126429 1,310;101116,101177;104139,104267;105976,1060
74;107039,107121;118555,118681;119668,119763;124622,124744;126421,127233

36241 264,157244 1,310;101116,101177;104139,104267;105976,1060
74;107039,107121;118555,118681;119668,119763;124622,124744;136092,136256;157119,
160435

36241 66300,157244 66208,66487;101116,101177;104139,104267;105
976,106074;107039,107121;118555,118681;119668,119763;124622,124744;136092,136256
;157119,160435

36241 101111,124744 86634,86952;95268,95291;96972,96995;101108
,101177;104139,104267;105976,106074;107039,107121;118555,118681;119668,119763;12
4622,124744;126418,127233

36242 28491,42283 1,127;885,1165;2678,2890;24395,24594;28474,2
8680;29187,29314;30169,30278;32684,32880;33223,33465;36161,36441;37773,37985;401
91,40293;40587,40780;42166,42434;43405,44297

36242 28491,42283 24341,24594;28474,28680;29187,29314;30169,30
278;32684,32880;33223,33465;36161,36441;37773,37985;40191,40293;40587,40780;4216
6,42830

36243 1748,9521 1,356;762,902;1741,1935;4765,4848;4988,5053;53
23,5423;5909,6034;6459,6525;6956,7036;9451,9671

36243 1748,9521 1,356;762,902;1741,1935;4768,4848;5323,5423;59
09,6034;6459,6525;6956,7036;9451,9671

36244 87194,388201 1,237;87195,87275;100255,100385;143439,1435
53;144765,144786;151631,151732;235658,235743;355831,358243;376023,376201;388103,
389906

36244 192,388201 13,237;87195,87275;100255,100385;143439,14355
3;144765,144786;151631,151732;235658,235743;355831,358243;376023,376201;381798,3
81836;388103,392213

36244 192,388201 13,237;87195,87275;100255,100385;143439,14355
3;144765,144786;151631,151732;235658,235743;355831,358243;376023,376201;388103,3
89910

36244 192,163129 143,237;87195,87275;100255,100385;143439,1435
53;144765,144786;151631,151732;162390,163175

36244 87194,163129 147,237;87195,87275;100255,100334;100356,10
0385;143439,143553;144765,144786;162390,163129

36244 268403,388201 268400,268559;355831,358243;376023,376201;
388103,388344

36245 87194,388201 1,237;87195,87275;100255,100385;143439,1435
53;144765,144786;151631,151732;235658,235743;355831,358243;376023,376201;388103,
389906

36245 192,388201 13,237;87195,87275;100255,100385;143439,14355
3;144765,144786;151631,151732;235658,235743;355831,358243;376023,376201;381798,3
81836;388103,392213

36245 192,388201 13,237;87195,87275;100255,100385;143439,14355
3;144765,144786;151631,151732;235658,235743;355831,358243;376023,376201;388103,3
89910

36245 192,163129 143,237;87195,87275;100255,100385;143439,1435
53;144765,144786;151631,151732;162390,163175

36245 87194,163129 147,237;87195,87275;100255,100334;100356,10
0385;143439,143553;144765,144786;162390,163129

36245 268403,388201 268400,268559;355831,358243;376023,376201;
388103,388344

36246 450,161150 1,590;56850,56931;57947,58047;94788,94925;108
624,108884;117188,117332;120126,120264;122412,122503;123229,123388;125560,125620
;126120,126131;127417,127496;128380,128428;128941,129076;129174,129265;129500,12
9746;130123,130229;132746,132905;136139,136299;136676,136860;142465,142534;14317

3, 143276; 143443, 143629; 145812, 145905; 146001, 146095; 146881, 147060; 147238, 147406; 149561, 149631; 150242, 150330; 150729, 150807; 151874, 152135; 152225, 152438; 161146, 162934

36246 330, 161150 1, 590; 56850, 56931; 57947, 58047; 94788, 94925; 108624, 108884; 117188, 117332; 120126, 120264; 122412, 122503; 123229, 123388; 125560, 125624; 127308, 127315; 127417, 127496; 128380, 128428; 128941, 129076; 129174, 129265; 129500, 129746; 130123, 130229; 132746, 132905; 136139, 136299; 136676, 136860; 142465, 142534; 143173, 143276; 143443, 143629; 145812, 145905; 146001, 146095; 146881, 147060; 147238, 147406; 149561, 149631; 150242, 150330; 150729, 150807; 151874, 152135; 152225, 152438; 161146, 162934

36247 134, 233914 1, 297; 31811, 31893; 34077, 34175; 44669, 44764; 48525, 48620; 107095, 107292; 110698, 110823; 118648, 118773; 124086, 124244; 128541, 128720; 129376, 129516; 131235, 131354; 134734, 134859; 136199, 136321; 139756, 139878; 140964, 141116; 145865, 145918; 147512, 147637; 148678, 148803; 149315, 149434; 149643, 149780; 150649, 150699; 152317, 152442; 154825, 155052; 156410, 156535; 156662, 156790; 157466, 157591; 157703, 157828; 159407, 159529; 160960, 161085; 163123, 163248; 170253, 170375; 170526, 170648; 172227, 172352; 174147, 174269; 176369, 176491; 176801, 176965; 179045, 179113; 179210, 179335; 180882, 181004; 181663, 181821; 184586, 184657; 188141, 188266; 192219, 192341; 196010, 196135; 198081, 198197; 199399, 199527; 200243, 200362; 203057, 203182; 206986, 207135; 207516, 207581; 207826, 207942; 210190, 210309; 211915, 212037; 214101, 214232; 216432, 216557; 217130, 217336; 219039, 219164; 219412, 219534; 222835, 222951; 223217, 223345; 224097, 224212; 224359, 224362; 229136, 229367; 232160, 232334; 233524, 234913

36247 134, 233914 1, 297; 31811, 31893; 34077, 34175; 44669, 44764; 48525, 48620; 107095, 107292; 110698, 110823; 118648, 118773; 124086, 124244; 128541, 128720; 129376, 129516; 131235, 131354; 134734, 134859; 136199, 136321; 139756, 139878; 140964, 141116; 145865, 145918; 147512, 147637; 148678, 148803; 149315, 149434; 149643, 149780; 150649, 150699; 152317, 152442; 154825, 155052; 156410, 156535; 156662, 156790; 157466, 157591; 157703, 157828; 159407, 159529; 160960, 161085; 163123, 163248; 170253, 170375; 170526, 170648; 172227, 172352; 174147, 174269; 176369, 176491; 176801, 176965; 179045, 179113; 179210, 179335; 180882, 181004; 181663, 181821; 184586, 184657; 188141, 188266; 192219, 192341; 196010, 196135; 198081, 198197; 199399, 199527; 200243, 200362; 203057, 203182; 206986, 207135; 207516, 207581; 207826, 207942; 210190, 210309; 211915, 212037; 214101, 214232; 216432, 216557; 217130, 217336; 219039, 219164; 219412, 219534; 222835, 222951; 223217, 223345; 224097, 224216; 229136, 229367; 232160, 232334; 233524, 234913

36248 134, 233914 1, 297; 31811, 31893; 34077, 34175; 44669, 44764; 48525, 48620; 107095, 107292; 110698, 110823; 118648, 118773; 124086, 124244; 128541, 128720; 129376, 129516; 131235, 131354; 134734, 134859; 136199, 136321; 139756, 139878; 140964, 141116; 145865, 145918; 147512, 147637; 148678, 148803; 149315, 149434; 149643, 149780; 150649, 150699; 152317, 152442; 154825, 155052; 156410, 156535; 156662, 156790; 157466, 157591; 157703, 157828; 159407, 159529; 160960, 161085; 163123, 163248; 170253, 170375; 170526, 170648; 172227, 172352; 174147, 174269; 176369, 176491; 176801, 176965; 179045, 179113; 179210, 179335; 180882, 181004; 181663, 181821; 184586, 184657; 188141, 188266; 192219, 192341; 196010, 196135; 198081, 198197; 199399, 199527; 200243, 200362; 203057, 203182; 206986, 207135; 207516, 207581; 207826, 207942; 210190, 210309; 211915, 212037; 214101, 214232; 216432, 216557; 217130, 217336; 219039, 219164; 219412, 219534; 222835, 222951; 223217, 223345; 224097, 224212; 224359, 224362; 229136, 229367; 232160, 232334; 233524, 234913

36248 134, 233914 1, 297; 31811, 31893; 34077, 34175; 44669, 44764; 48525, 48620; 107095, 107292; 110698, 110823; 118648, 118773; 124086, 124244; 128541, 128720; 129376, 129516; 131235, 131354; 134734, 134859; 136199, 136321; 139756, 139878; 140964, 141116; 145865, 145918; 147512, 147637; 148678, 148803; 149315, 149434; 149643, 149780; 150649,

150699;152317,152442;154825,155052;156410,156535;156662,156790;157466,157591;157703,157828;159407,159529;160960,161085;163123,163248;170253,170375;170526,170648;172227,172352;174147,174269;176369,176491;176801,176965;179045,179113;179210,179335;180882,181004;181663,181821;184586,184657;188141,188266;192219,192341;196010,196135;198081,198197;199399,199527;200243,200362;203057,203182;206986,207135;207516,207581;207826,207942;210190,210309;211915,212037;214101,214232;216432,216557;217130,217336;219039,219164;219412,219534;222835,222951;223217,223345;224097,224216;229136,229367;232160,232334;233524,234913

36249 1159,41598 1,133;1160,1297;1994,2131;3348,3598;4107,4185;4276,4374;6901,7106;21583,21693;41589,41598

36249 1159,8551 1,133;1160,1297;1994,2131;3348,3598;4107,4185;4276,4374;6901,7106;8428,9420

36250 1159,41598 1,133;1160,1297;1994,2131;3348,3598;4107,4185;4276,4374;6901,7106;21583,21693;41589,41598

36250 1159,8551 1,133;1160,1297;1994,2131;3348,3598;4107,4185;4276,4374;6901,7106;8428,9420

36251 189,6343 1,191;816,963;3300,3490;6016,6488

36251 189,6343 130,191;816,963;3300,3490;6016,6495

36252 6473,101682 1,168;6421,6624;10186,10415;13126,13343;16310,16397;21310,21398;25478,25665;41470,41603;41889,42080;42635,42788;46425,46586;47755,47865;49017,49162;50296,50491;53118,53351;53931,54091;56449,56628;72789,72948;75003,75084;97397,97515;99899,100014;101533,102765

36252 6473,101682 483,572;6421,6624;10186,10415;13126,13343;16310,16397;21310,21398;25478,25665;41470,41603;41889,42080;42635,42788;46425,46586;47755,47865;49017,49162;50296,50491;53118,53351;53931,54091;56449,56628;72789,72948;75003,75084;97397,97515;99899,100014;101533,102510

36253 161,292101 1,368;65506,65618;80189,80297;83716,83857;85754,85809;106838,106947;107206,107307;109375,109508;117838,117886;117990,118055;172365,172487;172585,172614;182215,182277;184026,184096;230501,230553;234894,234962;282870,282934;292026,293575

36253 161,292101 25,368;65506,65618;80189,80297;83716,83857;85754,85809;106838,106947;107206,107307;109375,109508;117838,117886;117990,118055;172365,172487;172585,172614;182215,182277;184026,184096;230501,230553;234894,234962;282870,282934;292026,293575

36254 5658,36139 1,222;941,1035;1885,2111;5607,5877;28459,28598;29800,29864;30346,30425;32502,32625;33803,33878;34233,34357;34833,34918;35216,35296;35987,37382

36254 5658,36139 5263,5319;5607,5877;28459,28598;29800,29864;30346,30425;32502,32625;33803,33878;34233,34357;34833,34918;35216,35296;35987,37381

36255 5658,36139 1,222;941,1035;1885,2111;5607,5877;28459,28598;29800,29864;30346,30425;32502,32625;33803,33878;34233,34357;34833,34918;35216,35296;35987,37382

36255 5658,36139 5263,5319;5607,5877;28459,28598;29800,29864;30346,30425;32502,32625;33803,33878;34233,34357;34833,34918;35216,35296;35987,37381

36256 121,36989 1,338;22086,22238;22350,22443;22586,22633;24932,25016;25122,25205;25438,25472;25683,25755;25858,25959;26195,26313;26401,26486;26561,26681;27413,27581;27725,27847;27930,28031;28119,28306;28674,28874;28956,29075;29159,29339;30332,30409;31247,31350;31559,31655;31937,32006;32592,32749;3467

3,34769;34901,35125;35209,35357;35900,36014;36132,36293;36403,36491;36604,36791;
36947,38197

36256 121,36989 1,338;22086,22238;22350,22443;22586,22633;2493
2,25016;25122,25205;25438,25472;25683,25755;25858,25959;26195,26313;26401,26486;
26561,26681;27413,27581;27725,27847;27930,28031;28119,28306;28674,28874;28956,29
075;29159,29339;30332,30409;31247,31350;31559,31655;31937,32006;32592,32749;3467
3,34769;34901,35125;35209,35357;35900,36014;36132,36293;36403,36491;36607,36791;
36947,38197

36257 1151,2821 1,35;851,1373;2209,2373;2468,2552;2658,3057

36257 1151,2821 724,1373;2209,2373;2468,2552;2658,3053

36258 16394,27694 1,253;16331,16598;18919,18979;22987,23187;25
395,25569;27136,27873

36258 16394,27694 1,58;66,253;16331,16598;18919,18979;22987,23
187;25395,25569;27136,27873

36259 1,48056 1,1797;8592,8706;9693,10736;13936,14013;16189,16
326;27066,27122;30171,30278;30395,30484;30844,30953;32907,33432;34448,34558;4096
4,41111;43368,43470;44322,44481;44556,44669;46944,47030;47895,48058;49076,49417

36259 21531,34821 21531,21714;27066,27122;30171,30278;30395,30
484;30844,30953;32907,33432;34448,34558;34711,35246

36259 21531,48056 21531,21714;27066,27122;30171,30278;30395,30
484;30844,30953;32907,33432;34448,34558;40964,41111;43368,43470;44322,44481;4455
6,44669;46944,47030;47895,48058;49076,49803

36259 21708,34821 21534,21714;27066,27122;30171,30278;30395,30
484;30844,30953;32907,33432;34448,34558;34711,35246

36259 21708,48056 21535,21714;27066,27122;30171,30278;30395,30
484;30844,30953;32907,33432;34448,34558;40964,41111;43368,43470;44322,44481;4455
6,44669;46944,47030;47895,48058;49077,49803

36260 17288,49254 1,109;17024,17688;46865,51255

36260 47196,49254 16565,16606;17024,17688;46865,51255

36260 47196,56008 39599,39775;46865,49224;55325,56311

36260 47196,56008 39612,39775;46865,49224;55325,58128

36261 123,7259 1,321;418,489;995,1091;3001,3188;4807,4912;7087
,7451

36261 123,7259 1,321;418,489;995,1091;3001,3188;4807,4912;7087
,7453

36262 166334,168585 1,24;166334,166460;166666,166726;167114,16
9659

36262 13264,19193 13167,13470;14705,14869;15108,15229;15311,15
407;15487,15573;17634,17739;17819,17922;18888,19013;19097,19310

36262 13264,19193 13167,13470;14705,14869;15108,15229;15311,15
407;15487,15573;17634,17739;18925,19013;19097,19310

36262 13264,19193 13167,13470;14705,14869;15108,15229;15311,15
407;15487,15573;17634,17739;18952,19013;19097,19310

36263 144,16233 1,229;4766,4821;5445,5557;5848,5922;6038,6184;
6333,6410;6603,6754;6830,6893;12962,13021;13110,13233;14397,14567;14958,15607;15
908,16010;16162,17052

36263 1455,16233 467,889;1268,1546;4766,4821;5445,5557;5848,59
22;6038,6184;6333,6410;6603,6754;6830,6893;12962,13021;13110,13233;14397,14567;1
4958,15607;15908,16010;16162,17052

36264 142,37083 1,169;21745,21847;33645,33806;36347,39315

36265 3104,17849 112,143;329,408;3073,3650;4267,4412;6075,6240
 ;6318,6414;6808,6927;7007,7125;7215,7346;8463,8573;9245,9358;9459,9543;10501,106
 18;11096,11229;11394,11545;11736,11884;15486,15627;16118,16267;16711,16875;17171
 ,17338;17790,18393
 36265 3104,17849 1,408;3073,3650;4267,4412;6075,6240;6318,6414
 ;6808,6927;7007,7125;7215,7346;8463,8573;9245,9358;9459,9543;10501,10618;11096,1
 1229;11394,11545;11736,11884;15486,15627;16118,16267;16711,16875;17171,17323;177
 90,18397
 36265 3104,17849 1,408;3073,3650;4267,4412;6075,6240;6318,6414
 ;6808,6927;7007,7125;7215,7346;8463,8573;9245,9358;9459,9543;10501,10618;11096,1
 1229;11394,11545;11736,11884;15486,15627;16118,16267;16711,16875;17171,17338;177
 90,18397
 36266 129,3728 1,240;1521,2007;2516,2656;3571,4027
 36266 129,3728 25,240;1521,2007;2516,2656;3571,4029
 36267 4910,9456 116,342;4908,5056;5330,5452;5827,6134;6674,683
 9;7047,7287;7788,7926;8047,8197;8668,8783;9125,9616;9717,9939
 36267 234,9456 1,342;4908,5056;5330,5452;5827,6134;6674,6835;7
 127,7287;7788,7926;8047,8197;8668,8783;9125,11010
 36267 93,9456 1,342;4908,5056;5330,5452;5827,6134;6674,6839;70
 47,7287;7788,7926;8047,8197;8668,8783;9125,11010
 36267 234,9456 44,342;4908,5056;5330,5452;5827,6134;6674,6835;
 7127,7287;7788,7926;8047,8197;8668,8783;9125,9456
 36267 234,9456 44,342;4908,5056;5330,5452;5827,6134;6674,6842;
 7135,7204;7207,7287;7788,7926;8047,8197;8668,8783;9125,9456
 36268 141,14849 1,293;10832,10935;14677,15664
 36268 141,14849 1,293;10832,10935;14677,15665
 36268 141,11765 15,293;10832,10935;11746,11815;14677,15126
 36269 13,22570 13,386;2659,2793;5013,5150;8381,8486;13724,1392
 4;19445,19635;22111,22210;22429,23200
 36269 13,22570 1,386;2659,2793;5013,5150;8381,8486;13724,13924
 ;19445,19635;22111,22210;22429,23200
 36270 75,5943 1,186;5142,5310;5810,5995
 36270 75,5943 1,186;5142,5310;5810,5996
 36271 1120,5786 1,516;1095,1207;1371,1486;4923,5126;5283,5379;
 5742,5904
 36272 25,9087 1,32;2364,2416;4116,4339;5569,5646;5824,5885;757
 8,7679;8951,9506
 36273 92,5557 1,235;3193,3244;3823,3927;3997,4158;4242,4403;44
 91,4646;4925,6058
 36273 92,5557 8,235;3193,3244;3823,3927;3997,4158;4242,4403;44
 91,4646;4925,6058
 36273 92,5557 8,235;3193,3244;3823,3927;3997,4162;5427,6058
 36273 92,5557 8,235;3193,3244;3823,3927;3997,4167;5432,5557
 36274 85,24851 1,34;53,198;1062,1152;1541,1641;5395,5627;6495,
 6642;10996,11151;11352,11466;11877,11947;12869,13003;14114,14287;18432,18492;229
 16,23070;23781,23923;24302,24393;24834,28565
 36274 85,39482 1,34;53,198;1062,1152;1541,1641;5395,5627;6495,
 6642;10996,11151;11352,11466;11877,11947;12869,13003;14114,14287;18432,18492;229
 16,23070;23781,23923;24302,24393;28877,28998;39389,39534
 36274 85,24851 35,198;1062,1152;1541,1641;5395,5627;6495,6642;

10996, 11151; 11352, 11466; 11877, 11947; 12869, 13003; 14114, 14287; 18432, 18492; 22916, 23070; 23781, 23923; 24302, 24393; 24834, 28565

36274 85, 39482 35, 198; 1062, 1152; 1541, 1641; 5395, 5627; 6495, 6642; 10996, 11151; 11352, 11466; 11877, 11947; 12869, 13003; 14114, 14287; 18432, 18492; 22916, 23070; 23781, 23923; 24302, 24393; 28877, 28998; 39389, 39532

36275 85, 24851 1, 34; 53, 198; 1062, 1152; 1541, 1641; 5395, 5627; 6495, 6642; 10996, 11151; 11352, 11466; 11877, 11947; 12869, 13003; 14114, 14287; 18432, 18492; 22916, 23070; 23781, 23923; 24302, 24393; 24834, 28565

36275 85, 39482 1, 34; 53, 198; 1062, 1152; 1541, 1641; 5395, 5627; 6495, 6642; 10996, 11151; 11352, 11466; 11877, 11947; 12869, 13003; 14114, 14287; 18432, 18492; 22916, 23070; 23781, 23923; 24302, 24393; 28877, 28998; 39389, 39534

36275 85, 24851 35, 198; 1062, 1152; 1541, 1641; 5395, 5627; 6495, 6642; 10996, 11151; 11352, 11466; 11877, 11947; 12869, 13003; 14114, 14287; 18432, 18492; 22916, 23070; 23781, 23923; 24302, 24393; 24834, 28565

36275 85, 39482 35, 198; 1062, 1152; 1541, 1641; 5395, 5627; 6495, 6642; 10996, 11151; 11352, 11466; 11877, 11947; 12869, 13003; 14114, 14287; 18432, 18492; 22916, 23070; 23781, 23923; 24302, 24393; 28877, 28998; 39389, 39532

36276 2, 206432 1, 317; 128860, 128958; 138962, 139039; 161142, 161305; 162149, 162266; 166878, 166988; 172791, 172904; 178034, 178158; 184220, 184332; 184641, 184924; 187957, 188209; 189480, 189654; 189861, 189962; 190628, 190678; 190782, 190839; 193865, 193967; 204580, 204803; 206421, 207924

36276 251, 206432 250, 317; 128860, 128958; 138962, 139039; 166878, 166988; 172791, 172904; 178034, 178158; 184220, 184332; 184641, 184924; 187957, 188209; 189480, 189654; 189861, 189962; 190628, 190678; 190782, 190839; 193865, 193967; 204580, 204803; 206421, 207922

36276 251, 204812 251, 317; 128860, 128958; 138962, 139039; 161142, 161305; 162149, 162266; 172791, 172904; 178034, 178158; 184220, 184332; 184641, 184924; 187957, 188209; 189480, 189654; 189861, 189962; 190628, 190678; 190782, 190839; 193865, 193967; 204580, 204811

36276 251, 206432 5, 317; 128860, 128958; 138962, 139039; 161142, 161305; 162149, 162266; 166878, 166988; 172791, 172904; 178034, 178158; 184220, 184332; 184641, 184924; 187957, 188209; 189480, 189654; 189861, 189962; 190628, 190678; 190782, 190839; 193865, 193967; 204580, 204803; 206421, 207924

36277 2, 206432 1, 317; 128860, 128958; 138962, 139039; 161142, 161305; 162149, 162266; 166878, 166988; 172791, 172904; 178034, 178158; 184220, 184332; 184641, 184924; 187957, 188209; 189480, 189654; 189861, 189962; 190628, 190678; 190782, 190839; 193865, 193967; 204580, 204803; 206421, 207924

36277 251, 206432 250, 317; 128860, 128958; 138962, 139039; 166878, 166988; 172791, 172904; 178034, 178158; 184220, 184332; 184641, 184924; 187957, 188209; 189480, 189654; 189861, 189962; 190628, 190678; 190782, 190839; 193865, 193967; 204580, 204803; 206421, 207922

36277 251, 204812 251, 317; 128860, 128958; 138962, 139039; 161142, 161305; 162149, 162266; 172791, 172904; 178034, 178158; 184220, 184332; 184641, 184924; 187957, 188209; 189480, 189654; 189861, 189962; 190628, 190678; 190782, 190839; 193865, 193967; 204580, 204811

36277 251, 206432 5, 317; 128860, 128958; 138962, 139039; 161142, 161305; 162149, 162266; 166878, 166988; 172791, 172904; 178034, 178158; 184220, 184332; 184641, 184924; 187957, 188209; 189480, 189654; 189861, 189962; 190628, 190678; 190782, 190839; 193865, 193967; 204580, 204803; 206421, 207924

36278 139, 241976 1, 248; 65958, 65987; 69063, 69162; 74412, 74529; 756

46,75769;81234,81307;96936,96993;133639,133873;148410,148724;151842,151932;20489
 0,204936;208261,208339;213070,213144;213971,214190;215411,215638;216238,216379;2
 18413,218582;219043,219158;219499,219662;220300,220450;222189,222257;223667,2237
 56;224108,224236;227789,227916;228572,228657;234419,234545;234784,234880;235110,
 235253;235578,235655;236154,236231;236497,236585;236825,236977;237104,237227;237
 335,237391;237592,237672;238239,238386;241110,241202;241383,241542;241691,243277
 36278 226,241976 1,248;65958,65987;69063,69162;74412,74529;756
 46,75769;81234,81307;96936,96993;133639,133873;148410,148724;151842,151932;20489
 0,204936;208261,208339;213070,213144;213971,214190;215411,215638;216238,216379;2
 18413,218582;219043,219158;219499,219662;220300,220450;222189,222257;223667,2237
 56;224108,224236;227789,227916;228572,228657;234419,234545;234784,234880;235110,
 235253;235578,235655;236154,236231;236497,236585;236825,236977;237104,237227;237
 335,237391;237592,237672;238239,238386;241110,241202;241383,241542;241691,243277
 36278 226,241976 5,248;65958,65987;69063,69162;74412,74529;756
 46,75769;81234,81307;96936,96993;133639,133873;148410,148724;151842,151932;20489
 0,204936;208261,208339;213070,213144;213971,214190;215411,215638;216238,216379;2
 18413,218582;219043,219158;219499,219662;220300,220450;222189,222257;223667,2237
 56;224108,224236;227789,227916;228572,228657;234419,234545;234784,234880;235110,
 235253;235578,235655;236154,236231;236497,236585;236825,236977;237104,237227;237
 335,237391;237592,237672;238239,238386;241110,241202;241383,241542;241691,243277
 36279 1,35377 1,138;29847,29964;31422,32035;33999,34290;35210,
 39120
 36279 31340,35377 31340,31483;31526,32035;33999,34290;35210,35
 376
 36279 31340,35377 31340,32035;33999,34290;35210,36166;37848,39
 120
 36280 2380,5472 1,99;2379,2586;4467,4601;5439,5472
 36280 2380,7607 7,99;2379,2586;4467,4601;6770,6808;7326,7412;7
 580,9050
 36281 111,49091 1,147;1817,1950;3149,3297;3779,3938;6349,6452;
 13382,13499;14115,14308;20165,20262;25818,25947;29117,29389;30981,31428;36780,36
 848;38377,38532;41306,41419;47597,47646;49060,51336
 36281 111,49091 4,147;1817,1950;3149,3297;3779,3938;6349,6452;
 13382,13499;14115,14308;20165,20262;25818,25947;29117,29389;30981,31428;36780,36
 848;38377,38532;41306,41419;47597,47646;49060,51187
 36282 7606,32619 1,165;7602,7838;17244,17326;19138,19282;21348
 ,21518;22068,22148;25192,25340;30808,33416
 36283 0,105045 1,90;10298,10390;22110,22236;66184,66321;67588,
 67678;72152,72219;73762,73897;80916,80993;82605,82710;86350,86442;90792,90897;95
 462,95553;105016,105857;285070,285104
 36283 232533,260830 214582,214784;232401,232910;238965,239051;
 243215,243324;252613,252784;252991,253182;255486,255545;260599,265248
 36283 232533,260830 214625,214784;232401,232910;238965,239051;
 243215,243324;252613,252784;252991,253182;255486,255545;260599,265248
 36284 0,105045 1,90;10298,10390;22110,22236;66184,66321;67588,
 67678;72152,72219;73762,73897;80916,80993;82605,82710;86350,86442;90792,90897;95
 462,95553;105016,105857;285070,285104
 36284 232533,260830 214582,214784;232401,232910;238965,239051;
 243215,243324;252613,252784;252991,253182;255486,255545;260599,265248
 36284 232533,260830 214625,214784;232401,232910;238965,239051;

243215, 243324; 252613, 252784; 252991, 253182; 255486, 255545; 260599, 265248
36285 15, 331758 15, 99; 124703, 124804; 146655, 146753; 149298, 14939
6; 182448, 182546; 187274, 187459; 187886, 187909; 190772, 190870; 192398, 192496; 200051, 2
00149; 206022, 206219; 208337, 208435; 208600, 208698; 215184, 215282; 224739, 224936; 2281
24, 228222; 228747, 228845; 232962, 233159; 237892, 237990; 238675, 238773; 242703, 242801;
243727, 243825; 253054, 253126; 261542, 261686; 267994, 268096; 268804, 268907; 280533, 280
757; 283341, 283495; 286133, 286344; 286864, 287068; 289513, 289609; 291975, 292203; 293304
, 293429; 296187, 296309; 298563, 298595; 300515, 300536; 303332, 309586; 311110, 311184; 31
3625, 313756; 315326, 315469; 317853, 318138; 319801, 320092; 323377, 323460; 323572, 32373
6; 331744, 332402
36285 15, 331758 1, 99; 124703, 124804; 146655, 146753; 149298, 149396
; 182448, 182546; 187274, 187459; 187886, 187909; 190772, 190870; 192398, 192496; 200051, 20
0149; 206022, 206219; 208337, 208435; 208600, 208698; 215184, 215282; 224739, 224936; 22812
4, 228222; 228747, 228845; 232962, 233159; 237892, 237990; 238675, 238773; 242703, 242801; 2
43727, 243825; 253054, 253126; 261542, 261686; 267994, 268096; 268804, 268907; 280533, 2807
57; 282259, 282357; 283341, 283495; 286133, 286344; 286864, 287068; 289513, 289609; 291975,
292203; 293304, 293429; 296187, 296309; 298563, 298595; 300515, 300534; 303330, 309586; 311
110, 311184; 313625, 313756; 315326, 315469; 317853, 318138; 319801, 320092; 323377, 323460
; 323572, 323736; 331744, 334016
36285 15, 331758 1, 99; 124703, 124804; 146655, 146753; 149298, 149396
; 182448, 182546; 187274, 187459; 187886, 187909; 190772, 190870; 192398, 192496; 200051, 20
0149; 206022, 206219; 208337, 208435; 208600, 208698; 215184, 215282; 224739, 224936; 22812
4, 228222; 228747, 228845; 232962, 233159; 237892, 237990; 238675, 238773; 242703, 242801; 2
43727, 243825; 253054, 253126; 261542, 261686; 267994, 268096; 268804, 268907; 280533, 2807
57; 282259, 282357; 283341, 283495; 286133, 286344; 286864, 287068; 289513, 289609; 291975,
292203; 293304, 293429; 296187, 296309; 298563, 298595; 300515, 300536; 303332, 309586; 311
110, 311184; 313625, 313756; 315326, 315469; 317853, 318138; 319801, 320092; 323377, 323460
; 323572, 323736; 331744, 332402
36285 15, 331758 1, 99; 124703, 124804; 146655, 146753; 149298, 149396
; 182448, 182546; 187274, 187459; 187886, 187909; 190772, 190870; 192398, 192496; 200051, 20
0149; 206022, 206219; 208337, 208435; 208600, 208698; 215184, 215282; 224739, 224936; 22812
4, 228222; 228747, 228845; 232962, 233159; 237892, 237990; 238675, 238773; 242703, 242801; 2
43727, 243825; 253054, 253126; 261542, 261686; 267994, 268096; 268804, 268907; 280533, 2807
57; 282259, 282357; 283341, 283495; 286133, 286344; 286864, 287068; 289513, 289609; 291975,
292203; 293304, 293429; 296187, 296309; 298563, 298595; 300515, 300536; 311110, 311184; 313
625, 313756; 315326, 315469; 317853, 318138; 319801, 320092; 323377, 323460; 323572, 323736
; 331744, 334016
36285 15, 331758 1, 99; 124703, 124804; 146655, 146753; 149298, 149396
; 182448, 182546; 187274, 187459; 187886, 187909; 190772, 190870; 192398, 192496; 200051, 20
0149; 206022, 206219; 208337, 208435; 208600, 208698; 215184, 215282; 224739, 224936; 22812
4, 228222; 228747, 228845; 232962, 233159; 237892, 237990; 238675, 238773; 242703, 242801; 2
43727, 243825; 253054, 253126; 261542, 261686; 267994, 268096; 268804, 268907; 280533, 2807
57; 282259, 282357; 283341, 283495; 286133, 286344; 286864, 287068; 289513, 289609; 291975,
292203; 293304, 293429; 296187, 296309; 298563, 298595; 305704, 305725; 311110, 311184; 313
625, 313756; 315326, 315469; 317853, 318138; 319801, 320092; 323377, 323460; 323572, 323736
; 331744, 332402
36285 268872, 325233 268872, 268907; 280533, 280757; 283341, 283495;
286133, 286344; 286864, 287068; 289513, 289609; 291975, 292203; 293304, 293429; 296187, 296
309; 305704, 305725; 311110, 311184; 313625, 313756; 315326, 315469; 317853, 318138; 319801
, 320092; 322820, 322912; 323377, 323460; 323572, 323736; 325051, 325233; 331744, 334015

36286 15,331758 15,99;124703,124804;146655,146753;149298,149396;182448,182546;187274,187459;187886,187909;190772,190870;192398,192496;200051,200149;206022,206219;208337,208435;208600,208698;215184,215282;224739,224936;228124,228222;228747,228845;232962,233159;237892,237990;238675,238773;242703,242801;243727,243825;253054,253126;261542,261686;267994,268096;268804,268907;280533,280757;283341,283495;286133,286344;286864,287068;289513,289609;291975,292203;293304,293429;296187,296309;298563,298595;300515,300536;303332,309586;311110,311184;313625,313756;315326,315469;317853,318138;319801,320092;323377,323460;323572,323736;331744,332402

36286 15,331758 1,99;124703,124804;146655,146753;149298,149396;182448,182546;187274,187459;187886,187909;190772,190870;192398,192496;200051,200149;206022,206219;208337,208435;208600,208698;215184,215282;224739,224936;228124,228222;228747,228845;232962,233159;237892,237990;238675,238773;242703,242801;243727,243825;253054,253126;261542,261686;267994,268096;268804,268907;280533,280757;282259,282357;283341,283495;286133,286344;286864,287068;289513,289609;291975,292203;293304,293429;296187,296309;298563,298595;300515,300534;303330,309586;311110,311184;313625,313756;315326,315469;317853,318138;319801,320092;323377,323460;323572,323736;331744,334016

36286 15,331758 1,99;124703,124804;146655,146753;149298,149396;182448,182546;187274,187459;187886,187909;190772,190870;192398,192496;200051,200149;206022,206219;208337,208435;208600,208698;215184,215282;224739,224936;228124,228222;228747,228845;232962,233159;237892,237990;238675,238773;242703,242801;243727,243825;253054,253126;261542,261686;267994,268096;268804,268907;280533,280757;282259,282357;283341,283495;286133,286344;286864,287068;289513,289609;291975,292203;293304,293429;296187,296309;298563,298595;300515,300536;303332,309586;311110,311184;313625,313756;315326,315469;317853,318138;319801,320092;323377,323460;323572,323736;331744,332402

36286 15,331758 1,99;124703,124804;146655,146753;149298,149396;182448,182546;187274,187459;187886,187909;190772,190870;192398,192496;200051,200149;206022,206219;208337,208435;208600,208698;215184,215282;224739,224936;228124,228222;228747,228845;232962,233159;237892,237990;238675,238773;242703,242801;243727,243825;253054,253126;261542,261686;267994,268096;268804,268907;280533,280757;282259,282357;283341,283495;286133,286344;286864,287068;289513,289609;291975,292203;293304,293429;296187,296309;298563,298595;300515,300536;311110,311184;313625,313756;315326,315469;317853,318138;319801,320092;323377,323460;323572,323736;331744,334016

36286 15,331758 1,99;124703,124804;146655,146753;149298,149396;182448,182546;187274,187459;187886,187909;190772,190870;192398,192496;200051,200149;206022,206219;208337,208435;208600,208698;215184,215282;224739,224936;228124,228222;228747,228845;232962,233159;237892,237990;238675,238773;242703,242801;243727,243825;253054,253126;261542,261686;267994,268096;268804,268907;280533,280757;282259,282357;283341,283495;286133,286344;286864,287068;289513,289609;291975,292203;293304,293429;296187,296309;298563,298595;305704,305725;311110,311184;313625,313756;315326,315469;317853,318138;319801,320092;323377,323460;323572,323736;331744,332402

36286 268872,325233 268872,268907;280533,280757;283341,283495;286133,286344;286864,287068;289513,289609;291975,292203;293304,293429;296187,296309;305704,305725;311110,311184;313625,313756;315326,315469;317853,318138;319801,320092;322820,322912;323377,323460;323572,323736;325051,325233;331744,334015

36287 22,13877 1,80;3114,3326;12708,12818;13768,14360

36287	22,13877	2,80;3114,3326;12708,12818;13768,14360
36288	5417,8281	1,103;5392,5524;5888,6063;8208,8458
36288	5417,8281	1,103;5392,5524;5888,6063;8208,8459
36289	346,58764	1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
		9,37294;38258,38365;39034,39126;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;
		49688,49816;53277,53384;53844,53867;54927,55034;56046,56135;56377,56487;56767,56
		868;58656,59256
36289	346,58764	1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
		9,37294;38258,38365;39034,39126;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;
		53277,53384;53844,53867;54927,55034;56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59
		256
36289	346,58764	1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
		9,37294;38258,38365;39034,39126;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;
		54927,55034;56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59256
36289	346,58764	1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
		9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;46649,46693;48134,48278;
		49688,49816;56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59257
36289	346,58764	1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
		9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;46649,46693;48134,48278;
		56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59256
36289	346,58764	1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
		9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;49688,49816;
		54927,55034;56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59256
36289	346,58764	1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
		9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;49688,49816;
		56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59258
36289	346,58764	1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
		9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;54927,55034;
		56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59256
36289	346,58764	1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
		9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;56046,56135;
		56377,56487;56767,56868;58656,59256
36289	346,58764	1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
		9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;56377,56487;
		56767,56868;58656,59256
36289	346,58764	1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
		9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;56377,56487;
		56767,56868;58656,59258
36290	372,3368	1,803;1700,1953;2524,5392
36290	372,3368	1,803;1700,1953;2524,5401
36291	372,3368	1,803;1700,1953;2524,5392
36291	372,3368	1,803;1700,1953;2524,5401
36292	24,31560	1,78;15119,15184;16607,16669;16755,16871;19794,
		19962;22155,22264;24112,24188;31467,31619
36292	24,31560	8,78;15119,15184;16607,16669;16755,16871;19794,
		19962;22155,22264;24112,24188;31467,31619
36293	27,21143	1,83;12045,12203;13063,13221;15962,16024;19295,
		19453;20972,21182
36294	27630,32838	1,126;27506,27773;28258,28348;28890,29008;31
		806,35767

36294	27447,32838	27089,27773;28258,28348;28890,29008;31806,35767
36295	156,40035	1,205;34148,34204;37757,37840;39839,40562
36295	156,40035	1,205;37757,37840;39839,40562
36295	30411,40035	82,205;29720,30538;34148,34204;37757,37840;39839,40559
36296	3783,22818	1,76;3778,3844;10833,11067;11174,11363;12172,12340;14657,14722;17860,17977;18746,18897;20646,20789;21537,21704;22412,25933
36297	51988,75146	1,105;51964,52143;64771,64945;70765,70932;75033,75219;77070,77676
36297	51988,77222	39280,39662;41807,41857;48277,48397;51964,52143;64771,64945;70765,70934;75033,75219;77070,77676
36297	39408,75163	39280,39662;41807,41857;51964,52143;70765,70934;75033,75219;77070,77676
36297	39408,77222	39280,39662;51964,52143;64771,64945;70765,70934;75033,75219;77070,77676
36297	51988,77222	39472,39534;41807,41857;51964,52143;64771,64945;70765,70934;75033,75219;77070,77676
36297	51988,77222	9,105;51964,52143;64771,64945;70765,70934;75033,75219;77070,77676
36298	6210,8140	1,57;6194,6397;7566,8289
36298	6210,8140	6148,6397;7566,8388
36298	6216,8140	6148,6397;7566,8388
36299	905,5040	1,14;619,743;892,1020;1264,1297;2037,2119;2378,2497;2689,2808;2947,3028;3343,3544;3783,3883;4047,6584
36300	474,1293	1,1579;2646,4034
36300	474,1293	1,63;72,1579;2646,4034
36301	182,6455	17,825;4330,4532;5850,6595
36301	182,6455	1,825;4330,4532;5850,6595
36302	114,72077	1,120;19084,19139;21568,21643;24829,24970;26842,26989;28056,28194;35702,35872;38106,38349;40408,40518;45891,46057;48537,48765;49953,50124;52589,52676;55245,55377;62907,63098;67254,67344;70229,70413;71896,73441
36302	19077,72077	19078,19139;21568,21643;24829,24970;26842,26989;28056,28194;35702,35872;38106,38349;40408,40518;45891,46057;48537,48765;49953,50124;52589,52676;55245,55377;62907,63098;67254,67344;70229,70413;71896,72077
36303	708,10614	1,111;698,842;2191,2392;2524,2651;2737,2768;10234,10245;10445,10613
36303	708,10516	1,111;698,842;2191,2392;2524,2651;2737,2875;2963,3074;5686,5785;6252,6349;6465,6601;7752,7886;9245,9359;9446,9615;9696,9766;9846,9917;10096,10201;10337,10791
36303	708,10614	610,842;2191,2392;2524,2651;2737,2780;10448,10791
36304	147,55236	1,226;15844,15949;22705,22840;25009,25171;28427,28486;30225,30326;30923,31060;32362,32499;38391,38534;39317,39445;40563,40688;44247,44366;45775,45906;47654,47777;55233,55873
36304	147,60428	1,226;15844,15949;22705,22840;25009,25171;28427,28486;30225,30326;30923,31060;32362,32499;38391,38534;39317,39445;40563,40688;44247,44366;45775,45906;47654,47777;60074,60523
36304	147,97608	1,226;15844,15949;22705,22840;25009,25171;2842

7, 28486; 30225, 30326; 30923, 31060; 32362, 32499; 38391, 38534; 39317, 39445; 40563, 40688;
44247, 44366; 45775, 45906; 47654, 47777; 62046, 62153; 62307, 62317; 63128, 63135; 71800, 71
815; 74139, 74270; 97469, 98296

36304 147, 62154 1, 226; 15844, 15949; 22705, 22840; 25009, 25171; 2842
7, 28486; 30225, 30326; 30923, 31060; 32362, 32499; 38391, 38534; 39317, 39445; 40563, 40688;
44247, 44366; 45775, 45906; 47654, 47777; 62046, 62863

36304 147, 97608 1, 226; 15844, 15949; 22705, 22840; 25009, 25171; 2842
7, 28486; 30225, 30326; 30923, 31060; 32362, 32499; 38391, 38534; 39317, 39445; 40563, 40688;
44247, 44366; 45775, 45906; 47654, 47777; 71673, 71815; 74139, 74270; 97469, 98296

36305 147, 55236 1, 226; 15844, 15949; 22705, 22840; 25009, 25171; 2842
7, 28486; 30225, 30326; 30923, 31060; 32362, 32499; 38391, 38534; 39317, 39445; 40563, 40688;
44247, 44366; 45775, 45906; 47654, 47777; 55233, 55873

36305 147, 60428 1, 226; 15844, 15949; 22705, 22840; 25009, 25171; 2842
7, 28486; 30225, 30326; 30923, 31060; 32362, 32499; 38391, 38534; 39317, 39445; 40563, 40688;
44247, 44366; 45775, 45906; 47654, 47777; 60074, 60523

36305 147, 97608 1, 226; 15844, 15949; 22705, 22840; 25009, 25171; 2842
7, 28486; 30225, 30326; 30923, 31060; 32362, 32499; 38391, 38534; 39317, 39445; 40563, 40688;
44247, 44366; 45775, 45906; 47654, 47777; 62046, 62153; 62307, 62317; 63128, 63135; 71800, 71
815; 74139, 74270; 97469, 98296

36305 147, 62154 1, 226; 15844, 15949; 22705, 22840; 25009, 25171; 2842
7, 28486; 30225, 30326; 30923, 31060; 32362, 32499; 38391, 38534; 39317, 39445; 40563, 40688;
44247, 44366; 45775, 45906; 47654, 47777; 62046, 62863

36305 147, 97608 1, 226; 15844, 15949; 22705, 22840; 25009, 25171; 2842
7, 28486; 30225, 30326; 30923, 31060; 32362, 32499; 38391, 38534; 39317, 39445; 40563, 40688;
44247, 44366; 45775, 45906; 47654, 47777; 71673, 71815; 74139, 74270; 97469, 98296

36306 148, 1553 1, 244; 470, 559; 745, 856; 1528, 1997

36307 195, 53954 1, 263; 1079, 1110; 36205, 36270; 38643, 38690; 39694,
39764; 46885, 46958; 49262, 49363; 50830, 51006; 53900, 55639

36307 195, 53954 1, 263; 1079, 1110; 36205, 36270; 38643, 38690; 39694,
39764; 46885, 46958; 49262, 49363; 50830, 51006; 53900, 55640

36307 195, 53954 1, 263; 1079, 1110; 36205, 36270; 39694, 39764; 46885,
46958; 49262, 49363; 50830, 51006; 53900, 54602

36308 4766, 26976 1, 74; 4742, 4828; 5543, 5676; 7096, 7200; 10047, 1009
2; 12377, 12485; 15279, 15387; 25659, 25810; 26860, 28365

36309 4123, 33478 1, 194; 4110, 4327; 7509, 7626; 11405, 11492; 11607, 1
1785; 13612, 13804; 15639, 15767; 19656, 19784; 21699, 21784; 28323, 28429; 28565, 28751; 299
90, 30057; 31142, 31356; 33247, 33535

36310 19279, 43066 1, 127; 10111, 10160; 19190, 19321; 19683, 19852; 20
605, 20817; 24266, 24376; 25946, 26081; 27968, 28043; 28123, 28300; 32030, 32180; 34014, 3415
0; 34493, 34666; 38501, 38615; 39971, 40136; 42891, 46582

36310 19279, 43066 19185, 19321; 19683, 19852; 20605, 20817; 24266, 24
376; 25946, 26081; 27968, 28043; 28123, 28300; 32030, 32180; 34014, 34150; 34493, 34666; 3850
1, 38615; 39971, 40136; 42891, 46791

36311 19279, 43066 1, 127; 10111, 10160; 19190, 19321; 19683, 19852; 20
605, 20817; 24266, 24376; 25946, 26081; 27968, 28043; 28123, 28300; 32030, 32180; 34014, 3415
0; 34493, 34666; 38501, 38615; 39971, 40136; 42891, 46582

36311 19279, 43066 19185, 19321; 19683, 19852; 20605, 20817; 24266, 24
376; 25946, 26081; 27968, 28043; 28123, 28300; 32030, 32180; 34014, 34150; 34493, 34666; 3850
1, 38615; 39971, 40136; 42891, 46791

36312 204, 11930 1, 342; 8768, 9294; 11798, 13277

36313 112,5030 1,132;541,639;1015,1073;2432,2477;2585,2700;290
1,2945;4169,4253;4793,5092

36314 58,1047012 1,169;270795,270908;382454,382556;395232,3954
00;420436,420796;449212,449433;451032,451072;453668,454050;476812,476898;506350,
506429;688990,689054;904790,905002;931176,931370;966218,966365;983652,983725;992
412,992489;1009587,1009706;1010948,1011114;1016234,1016287;1018761,1018825;10387
06,1038779;1046940,1048664

36314 58,1047012 1,169;97942,97992;270795,270908;382454,382556
;395232,395400;420436,420796;449212,449433;451032,451072;453668,454050;476812,47
6898;506350,506429;688990,689054;904790,905002;931176,931370;966218,966365;98365
2,983725;992412,992489;1009587,1009706;1010948,1011114;1016234,1016287;1018761,1
018825;1038706,1038779;1046940,1048664

36314 58,1047012 1,169;97942,97992;270795,270908;382454,382556
;395232,395400;420436,420796;449212,449433;451032,451072;453668,454050;506350,50
6429;688990,689054;904790,905002;931176,931370;966218,966365;983652,983725;99241
2,992489;1009587,1009706;1010948,1011114;1016234,1016287;1018761,1018825;1038706
,1038779;1046940,1048664

36314 46109,1047012 46109,46301;97942,97992;270795,270908;3824
54,382556;395232,395400;420436,420796;449212,449433;451032,451072;453668,454050;
476812,476898;506350,506429;688990,689054;904790,905002;931176,931370;966218,966
365;983652,983725;992412,992489;1009587,1009706;1010948,1011114;1016234,1016285;
1018762,1018825;1038706,1038779;1046940,1047011

36314 58,1047012 58,169;270795,270908;382454,382556;395232,395
400;420436,420796;449212,449433;451032,451072;453668,454050;476812,476898;506350
,506429;688990,689054;904790,905002;931176,931370;966218,966365;983652,983725;99
2412,992489;1009587,1009706;1010948,1011114;1016234,1016287;1018761,1018825;1038
706,1038779;1046940,1047011

36314 58,1047012 58,169;97942,97992;270795,270908;382454,38255
6;395232,395400;420436,420796;449212,449433;451032,451072;453668,454050;476812,4
76898;506350,506429;688990,689054;904790,905002;931176,931370;966218,966365;9836
52,983725;992412,992489;1009587,1009706;1010948,1011114;1016234,1016287;1018761,
1018825;1038706,1038779;1046940,1048668

36314 58,1047012 58,169;97942,97992;270795,270908;382454,38255
6;395232,395400;420436,420796;449212,449433;451032,451072;453668,454050;506350,5
06429;688990,689054;904790,905002;931176,931370;966218,966365;983652,983725;9924
12,992489;1009587,1009706;1010948,1011114;1016234,1016287;1018761,1018825;103870
6,1038779;1046940,1047011

36314 801699,890765 801699,801810;890250,890764

36314 875579,902244 875578,875796;902153,902243

36315 6729,34361 1,199;6703,6791;6968,7051;8098,8194;10940,110
14;15741,15815;25083,25163;27040,27125;28250,28348;34223,34649

36315 6729,34361 30,199;6703,6791;6968,7051;8098,8194;10940,11
014;15741,15815;25083,25163;27040,27125;28250,28348;34223,34645

36316 33,21928 1,164;2439,2573;6042,6152;7612,7788;10970,11152
;13587,13752;15510,15713;17185,17312;19165,19318;21785,22149

36316 33,21928 1,164;2439,2573;6042,6152;7612,7788;10970,11152
;13587,13752;15510,15713;17185,17312;19165,19318;21785,22152

36317 22,3015 1,25;411,474;1215,1290;1927,2101;2887,3055

36317 22,3015 1,25;411,474;1215,1290;1927,2101;2887,3056

36317 410,3015 410,474;1215,1290;1927,2101;2887,4044

36318 161241, 175428 146, 535; 24228, 24289; 28820, 28893; 137184, 137
 268; 138708, 138799; 143258, 143332; 147857, 147868; 159883, 160040; 161241, 161348; 162660
 , 162757; 165427, 165637; 172065, 172187; 172515, 172677; 174727, 175600
 36318 464, 175428 1, 535; 24228, 24289; 28820, 28893; 137184, 137268; 1
 38708, 138799; 143258, 143332; 159883, 160040; 161241, 161348; 162660, 162757; 165427, 1656
 37; 170544, 170738; 172014, 172187; 172515, 172677; 174727, 177629
 36319 221, 550353 1, 320; 122891, 123013; 198269, 198540; 277977, 2780
 58; 280429, 280544; 301483, 301657; 335854, 336147; 430587, 430889; 436755, 436864; 437941,
 438142; 441661, 441766; 452787, 453060; 455785, 455821; 511311, 511449; 515335, 515495; 521
 675, 521859; 523591, 523678; 525041, 525117; 527870, 527906; 529188, 529285; 529694, 529810
 ; 534704, 534858; 537202, 537337; 537599, 537748; 539290, 539463; 543525, 543656; 543797, 54
 3922; 546752, 546915; 547422, 547557; 550299, 551792
 36320 5786, 35280 1, 123; 5782, 5846; 6954, 7045; 9539, 9646; 10368, 104
 44; 11630, 11711; 11803, 11933; 12376, 12561; 14438, 14572; 15332, 15446; 16633, 16778; 17395
 , 17523; 20850, 20979; 26359, 26519; 29222, 29376; 31492, 31667; 32620, 32754; 32853, 32925; 3
 5188, 36385
 36320 5786, 35280 41, 123; 5782, 5846; 6954, 7045; 9539, 9646; 10368, 10
 444; 11630, 11711; 11803, 11933; 12376, 12561; 14438, 14572; 15332, 15446; 16633, 16778; 1739
 5, 17523; 20850, 20979; 26359, 26519; 29222, 29376; 31492, 31667; 32620, 32754; 32853, 32925;
 35188, 36640
 36321 138, 30154 1, 201; 12538, 12656; 13737, 13950; 20179, 20337; 2128
 2, 21466; 22880, 23002; 26645, 26708; 27413, 27577; 30014, 30607; 30614, 32797
 36321 138, 37985 1, 201; 12538, 12656; 13737, 13950; 20179, 20337; 2128
 2, 21466; 22880, 23002; 26645, 26708; 27413, 27577; 37845, 38481
 36321 138, 30154 3, 201; 12538, 12656; 13737, 13950; 20179, 20337; 2128
 2, 21466; 22880, 23002; 26645, 26708; 27413, 27577; 30014, 31434
 36322 138, 30154 1, 201; 12538, 12656; 13737, 13950; 20179, 20337; 2128
 2, 21466; 22880, 23002; 26645, 26708; 27413, 27577; 30014, 30607; 30614, 32797
 36322 138, 37985 1, 201; 12538, 12656; 13737, 13950; 20179, 20337; 2128
 2, 21466; 22880, 23002; 26645, 26708; 27413, 27577; 37845, 38481
 36322 138, 30154 3, 201; 12538, 12656; 13737, 13950; 20179, 20337; 2128
 2, 21466; 22880, 23002; 26645, 26708; 27413, 27577; 30014, 31434
 36323 57, 2142 14, 349
 36324 10249, 12334 1, 019, 314, 541
 36324 10249, 12334 1, 151; 10199, 14532
 36324 43, 92223 1, 151; 75664, 75771; 92155, 92222
 36324 10249, 12334 429, 657; 10196, 12767
 36325 111, 86100 1, 138; 49326, 49443; 53205, 53440; 54174, 54312; 5487
 5, 54993; 55115, 55228; 55862, 55973; 67414, 67619; 81365, 81500; 83503, 83771; 85132, 85361;
 85962, 86535
 36325 49325, 86100 1, 138; 49326, 49443; 53205, 53440; 54174, 54312; 54
 875, 54993; 55115, 55228; 55862, 55986; 56035, 56036; 67414, 67619; 81365, 81500; 83503, 8377
 1; 85132, 85361; 85962, 86535
 36326 6798, 29754 1, 54; 6738, 7003; 13166, 13314; 18620, 18822; 19267,
 19455; 21555, 21698; 27183, 27276; 29374, 33425
 36327 278, 34503 1, 308; 1741, 1905; 34162, 36392
 36328 47376, 72500 1, 119; 46864, 47921; 48669, 49008; 51141, 51287; 54
 917, 55073; 72176, 72338; 72341, 72499
 36328 47376, 83440 1196, 1264; 46864, 47921; 48669, 49008; 51141, 5128
 7; 54917, 55073; 72176, 72332; 81108, 81255; 83249, 85884

36328 47376,83440 46863,47921;48669,49008;51141,51287;54917,55
 073;72176,72332;81108,81255;83249,85918
 36328 47376,81257 47376,47912;47917,47921;48669,48789;48792,49
 008;51141,51287;54917,55073;72176,72332;81108,81224;81227,81256
 36329 134,9638 1,1205;3550,3955;7445,7517;9344,9637
 36329 185,9638 133,1205;3550,3955;7445,7517;9344,12277
 36330 34097,89027 1,53;34044,34332;60289,60378;61417,61610;623
 96,62530;65720,65794;79526,79579;82166,82378;85053,85190;85369,85513;88903,89614
 36330 34097,89027 1,53;34044,34332;60289,60378;61417,61610;623
 96,62530;65720,65794;79526,79579;82166,82378;85053,85190;85369,85513;88903,92787
 36330 34097,89027 298,492;34044,34332;60289,60378;61417,61610;
 62396,62530;65720,65794;79526,79579;82166,82378;85053,85190;85369,85513;88903,89
 603
 36330 34097,89027 298,492;34044,34332;60289,60378;61417,61610;
 62396,62530;65720,65794;79526,79579;82166,82378;85053,85190;85369,85513;88903,92
 787
 36330 34097,89027 298,492;34044,34332;61417,61610;62396,62530;
 65720,65794;79526,79579;82166,82378;85053,85190;85369,85513;88903,89603
 36331 463,77469 1,479;4731,4785;7076,7127;10491,10745;52620,52
 742;56355,56471;60380,60499;64616,64738;66274,66400;70010,70205;77307,78275
 36331 463,77469 1,479;4731,4785;7076,7127;10491,10745;52620,52
 742;56355,56471;60380,60499;64616,64738;66274,66400;70010,70205;77307,78280
 36331 295,77469 1,479;4731,4785;7076,7127;9240,9361;10493,1074
 5;52620,52742;56355,56471;60380,60499;64616,64738;66274,66400;70010,70205;77307,
 78275
 36332 602,3581 1,1108;1213,1417;1507,1701;1935,1967;2193,2298;
 2452,2521;3215,3310;3416,3912
 36332 602,3581 1,1108;1213,1417;1935,1967;2193,2298;2452,2521;
 3416,3912
 36333 3,16468 1,47;2457,2552;5457,5627;8509,8589;9416,9565;965
 1,9790;10084,10169;10722,10814;10903,11027;12466,12516;15488,15577;15887,15997;1
 6348,16935
 36334 229370,247898 1,93;9583,9723;28604,28686;185555,186221;2
 29357,229613;231407,231579;237388,237598;246108,246251;247740,248915
 36334 9620,247898 1,93;9583,9723;28604,28686;185555,186221;229
 357,229613;231407,231579;237388,237598;246108,246251;247740,249380
 36334 9620,247898 1,93;9583,9723;28604,28686;185555,186221;229
 357,229613;231407,231579;237388,237598;246108,246251;247740,249385
 36334 237490,247898 70291,70648;229357,229613;231407,231579;23
 7388,237598;246108,246251;247740,249380
 36334 229370,247898 70291,70648;229357,229613;231407,231579;23
 7388,237598;246108,246251;247740,249385
 36334 229370,247898 70291,70649;185555,186221;229357,229613;23
 1407,231579;237388,237598;246108,246251;247740,249380
 36334 70625,247898 70291,70649;185555,186221;229357,229613;231
 407,231579;237388,237598;246108,246251;247740,249385
 36335 203,15420 10,221;2724,2873;3050,3126;3704,3845;3929,4002
 ;4120,4182;5045,5086;5216,5290;5656,5731;5894,6003;7281,7436;7654,7723;7959,8044
 ;8314,8484;8634,8739;15322,15865
 36335 203,15420 1,221;2724,2873;3050,3126;3704,3845;3929,4002;

4120,4182;5045,5086;5216,5290;5656,5731;5894,6003;7281,7436;7654,7723;7959,8044;
8314,8484;8634,8739;15322,15853

36336 74,64121 1,176;22126,22273;28078,28124;28864,28935;31640
,31726;33920,34082;39354,39474;41375,41506;43138,43344;51725,51845;52067,52222;5
2565,52654;54426,54518;57816,57872;58576,58653;58975,59007;60775,60951;61120,612
29;63300,63459;64065,65131

36336 74,64121 1,176;22126,22273;28078,28124;28864,28935;31640
,31726;33920,34082;39354,39474;41375,41506;43138,43344;51725,51845;52067,52222;5
2565,52654;54426,54518;57816,57872;58975,59007;60775,60951;61120,61229;63300,634
59;64065,64320

36336 74,64121 1,176;22126,22273;28078,28124;28864,28935;31640
,31726;33920,34082;39354,39474;41375,41506;43138,43344;51725,51845;52067,52222;5
2565,52654;54426,54518;57816,57872;60775,60951;61120,61229;63300,63459;64065,643
19

36336 74,64121 1,176;22126,22273;28078,28124;28864,28935;31640
,31726;33920,34082;39354,39474;41375,41506;43138,43344;51725,51845;52067,52222;5
2565,52654;54426,54518;57816,57872;60775,60951;61120,61229;63300,63459;64065,643
20

36337 588,2881 1,696;1812,1906;2039,2077;2179,2282;2590,2653;2
740,3256

36338 15632,44635 1,50;15594,15665;17736,17884;20924,21049;214
53,21572;25941,26047;26945,27015;27119,27186;29388,29543;30573,30731;31730,31816
;33431,33550;34021,34170;34688,34761;35412,35565;37925,37978;44557,46825

36338 15632,38036 1,50;15594,15665;17736,17884;20924,21049;214
53,21572;25941,26047;26945,27015;27119,27186;29388,29543;30573,30731;31730,31816
;33431,33550;34021,34170;34688,34761;35412,35565;37925,40366

36339 15632,44635 1,50;15594,15665;17736,17884;20924,21049;214
53,21572;25941,26047;26945,27015;27119,27186;29388,29543;30573,30731;31730,31816
;33431,33550;34021,34170;34688,34761;35412,35565;37925,37978;44557,46825

36339 15632,38036 1,50;15594,15665;17736,17884;20924,21049;214
53,21572;25941,26047;26945,27015;27119,27186;29388,29543;30573,30731;31730,31816
;33431,33550;34021,34170;34688,34761;35412,35565;37925,40366

36340 242,49031 1,338;17627,17760;28456,28560;30743,30788;3283
8,32946;46616,46724;47415,47566;48916,49451

36340 242,49031 29,338;17627,17760;28456,28560;30743,30788;328
38,32946;46616,46724;47415,47566;48916,49450

36341 29734,66238 1,381;29723,29783;32061,32378;34633,34893;35
885,36015;38255,38426;38518,38707;41599,41714;43360,43486;44503,44696;45497,4559
1;45807,45939;48354,48458;48862,48972;49328,49481;51282,51448;56337,56452;56807,
56929;58396,58507;59765,59864;59975,60080;61279,61520;66091,69210

36342 76,8137 1,79;259,356;5612,5713;8050,8331

36343 37,2484 10,92;381,593;946,1043;2210,2311;2395,2643

36343 37,2484 1,92;381,593;946,1043;2210,2311;2395,2640

36344 36,69292 1,43;3073,3177;24254,24329;30425,30545;42885,43
064;43334,43455;43956,44060;44390,44496;62122,62273;65186,65302;69125,69564

36345 1197,209484 1,227;1090,1259;107074,107295;140063,140201;
141474,141603;141770,141818;141909,141935;142418,142570;142922,142967;144089,144
178;145496,145588;148015,148134;148581,148679;149425,149523;150901,150960;150962
,151003;152041,152238;153647,153844;160149,160247;170717,170794;183524,183746;18
8671,188859;199127,199324;200776,200914;202237,202357;205149,205337;208252,21074

8

36345 1197, 209484 1, 227; 1090, 1259; 107074, 107295; 140063, 140201; 141474, 141603; 141770, 141818; 141909, 141935; 142418, 142570; 142922, 142967; 144089, 144178; 145496, 145588; 148015, 148134; 148581, 148679; 149425, 149523; 150901, 150998; 152039, 152238; 153647, 153844; 160149, 160247; 170717, 170794; 183524, 183746; 188671, 188859; 199127, 199324; 200776, 200914; 202237, 202357; 205149, 205337; 208252, 210748

36346 11995, 23231 1, 278; 10781, 10819; 11985, 12155; 13758, 13979; 15667, 16638; 17144, 17328; 18790, 18957; 20059, 20189; 20610, 20747; 23087, 24311

36346 11995, 23231 8600, 9598; 10781, 10819; 11985, 12155; 13758, 13979; 15667, 16638; 17144, 17328; 18790, 18957; 20059, 20189; 20610, 20747; 23087, 24297

36346 11995, 23231 9228, 9598; 10781, 10819; 11985, 12155; 13758, 13979; 15667, 16638; 17144, 17328; 18790, 18957; 20059, 20189; 20610, 20747; 23087, 24311

36347 32164, 32626 1, 154; 15110, 15183; 26057, 26232; 31648, 35807

36347 32164, 32626 26053, 26232; 31648, 35807

36347 32164, 32626 40, 154; 26057, 26232; 31648, 33840

36348 19, 31738 1, 225; 9223, 9318; 19043, 19276; 24178, 24340; 27206, 27298; 31202, 31765; 49520, 49915

36348 19, 31932 9, 225; 9223, 9318; 19043, 19276; 24178, 24330; 31860, 34852

36348 19, 31738 9, 225; 9223, 9318; 19043, 19276; 24178, 24340; 27206, 27298; 31202, 31765; 34741, 34852

36348 19, 31738 9, 225; 9223, 9318; 19043, 19276; 24178, 24340; 27206, 27298; 31202, 34852

36348 19, 31932 9, 225; 9223, 9322; 18960, 18961; 19043, 19276; 24178, 24333; 31860, 34852

36348 19, 31738 9, 225; 9223, 9322; 18960, 18961; 19043, 19276; 24178, 24340; 27206, 27298; 31202, 31765; 34741, 34852

36349 2475, 33442 1, 39; 242, 368; 2470, 2528; 7026, 7183; 12832, 12984; 20001, 20162; 27372, 27521; 32058, 32207; 33150, 33468

36349 2475, 33442 240, 368; 2470, 2528; 7026, 7183; 12832, 12984; 20001, 20162; 27372, 27521; 32058, 32207; 33150, 33620

36349 2475, 33442 24, 39; 242, 368; 2470, 2528; 7026, 7183; 20001, 20162; 27372, 27521; 32058, 32207; 33150, 33468

36350 3831, 12016 1, 58; 2999, 3081; 3330, 3470; 3682, 11865; 12008, 12232; 12427, 13977

36350 3831, 12582 1, 58; 2999, 3081; 3330, 3470; 3682, 11866; 12008, 12232; 12284, 12285; 12427, 13977

36351 14196, 37342 1, 76; 13834, 13883; 14148, 14247; 20233, 20349; 23543, 23590; 24896, 25030; 26381, 26645; 27211, 30912; 31087, 31093; 37258, 38704

36351 14196, 37342 1, 76; 13834, 13883; 14148, 14247; 20233, 20349; 23543, 23590; 24896, 25030; 26381, 26645; 27211, 30919; 37258, 38704

36351 14196, 47076 1, 76; 13834, 13883; 14148, 14247; 20233, 20349; 23543, 23590; 24896, 25030; 26381, 26645; 27211, 31711; 36302, 36457; 40895, 40978; 41742, 41788; 45376, 45536; 46936, 51114

36352 410, 26198 1, 1184; 11788, 11975; 20366, 20550; 20822, 20939; 24504, 24719; 26030, 26225; 27588, 27879

36352 410, 26198 29, 1184; 11788, 11975; 20366, 20550; 20822, 20939; 24504, 24719; 26030, 26825

36353 303, 69725 1, 432; 51472, 51572; 54385, 54493; 67745, 67869; 69527, 69834

36353	303,69725	1,432;51472,51572;54385,54493;67745,67869;6952 7,72412
36353	23563,34754	23563,23606;32932,34753
36354	923,7572	1,147;922,1015;1276,1363;1575,1657;5797,5878;61 14,6184;7312,7412;7484,8557
36354	1276,2377	116,147;922,1015;1276,1363;1575,1657;2227,2376
36354	923,7572	356,1015;1276,1363;1575,1657;5797,5878;6114,618 4;7312,7412;7484,9363
36354	6627,7572	6627,6824;7312,7412;7484,7571
36355	56,34922	1,155;5416,5520;7721,7861;12659,12788;13094,131 55;14103,14231;16082,16195;18232,18334;20724,20908;25672,25836;27270,27427;28557 ,28631;34850,36772
36355	23,34922	1,155;5416,5520;7721,7861;16082,16195;18232,183 34;20724,20908;25672,25836;27270,27427;28557,28631;34850,36772
36355	56,34922	5,155;5416,5520;7721,7861;12659,12788;13094,131 55;14103,14231;16082,16195;18232,18334;20724,20908;25672,25836;27270,27427;28557 ,28631;34850,36773
36356	22616,39374	1,89;1243,1317;22584,22674;25561,25636;27680 ,27831;31019,31107;33035,33195;33949,34050;35378,35429;35892,36013;37318,37415;3 9304,43622
36356	28297,35956	28142,28390;30592,30652;31019,31107;33035,33 195;33949,34050;35378,35429;35945,36013;37317,37415;39303,43616
36356	30594,35956	28142,28390;30592,30652;31019,31107;33035,33 195;33949,34050;35378,35429;35945,36013;37318,37415;39304,43616
36356	30594,35956	28142,28390;30592,30652;31019,31107;33035,33 195;33949,34050;35378,35429;35945,36013;37318,37415;39304,43622
36356	22616,39374	8523,8544;22584,22674;25561,25636;27680,2783 1;31019,31107;33035,33195;33949,34050;35378,35429;35892,36013;37318,37415;39304, 43622
36357	1013,2049	1,54;998,1153;1884,2185
36357	1013,2049	17,54;289,337;998,1153;1884,2185
36357	1013,2049	288,335;997,1153;1884,2185
36358	1510,5952	1,92;1511,1568;1645,1695;2282,2371;2470,2642;5 612,5740;5821,6006
36359	1510,5952	1,92;1511,1568;1645,1695;2282,2371;2470,2642;5 612,5740;5821,6006
36360	279,9015	1,827;1145,1282;2120,2300;2487,2588;2772,2955;3 870,3991;4454,4563;4766,4831;5001,5126;5286,5362;5450,5513;5626,5711;5887,5944;6 461,6565;7844,8018;8129,8241;8477,8571;8654,8722;8906,9180
36360	279,9015	279,497;593,595;597,827;2120,2300;2487,2588;277 2,2955;3870,3991;4454,4563;4766,4831;5001,5126;5286,5362;5450,5513;5626,5711;588 7,5944;6461,6565;7844,8018;8129,8241;8477,8571;8654,8722;8906,9180
36360	279,9015	2,827;1145,1282;2120,2300;2487,2588;2772,2955;3 870,3991;4454,4563;4766,4831;5001,5126;5286,5362;5450,5513;5626,5711;5887,5944;6 461,6565;7844,8018;8129,8241;8477,8571;8654,8722;8906,9180
36361	116,279856	1,189;53677,53787;54335,54455;66596,66820;906 49,90738;91833,91996;93505,93630;94649,94898;106493,106594;112888,112977;114538, 114729;123339,123433;123637,123723;130802,130898;135063,135272;136912,137052;137 783,137820;138214,138308;140095,140241;185429,185508;218140,218290;225879,225998 ;227106,227216;228126,228226;229577,229768;238571,238726;248246,248335;256992,25

7164;257643,257748;266691,266825;279748,281594
36361 116,279856 1,189;53677,53787;54335,54455;66596,66820;906
49,90738;91833,91996;93505,93630;94649,94898;106493,106594;112888,112977;114538,
114729;123339,123433;123637,123723;130802,130898;135063,135272;136912,137052;137
783,137820;138214,138308;140095,140241;185429,185508;218140,218290;225879,225998
;227106,227216;228126,228226;229577,229768;238571,238726;248246,248335;256992,25
7164;257643,257748;266691,266825;279748,281595
36362 45,5962 1,50;276,359;1697,1753;2125,2206;2417,2448;3761,
3838;4564,4629;5884,6523
36362 45,5962 3,50;276,359;1697,1753;2125,2206;2417,2448;3761,
3838;4564,4629;5884,6518
36363 48,49991 1,114;3965,4076;6933,7009;8482,8573;13245,13344
;13804,13879;15157,15272;49890,51492
36364 25214,64306 1,46;25135,25280;37615,37713;48906,49021;599
56,60191;62272,62518;63105,63273;64238,65813
36365 25214,64306 1,46;25135,25280;37615,37713;48906,49021;599
56,60191;62272,62518;63105,63273;64238,65813
36366 68282,165747 1,158;68236,68399;73517,73586;79275,79348;8
1151,81280;83577,83682;86636,86691;91320,91417;91949,92113;95632,95712;99086,992
66;105874,106018;107832,107989;109637,109728;111758,111830;113331,113458;117261,
117356;117667,117840;121382,121420;123942,124035;130555,130685;130778,130855;132
424,132553;136739,136829;137579,137729;140792,141000;141963,142041;143265,143425
;145966,145995;149108,149146;158340,158443;159231,159362;162407,162433;164798,16
5016;165548,166963
36366 68282,165747 67,158;68236,68399;73517,73586;79275,79348;
81151,81280;83577,83682;86636,86691;91320,91417;91949,92113;95632,95712;99086,99
266;105874,106018;107832,107989;109637,109728;111758,111830;113331,113458;117261
,117356;117667,117840;121382,121420;123942,124035;130555,130685;130778,130855;13
2424,132553;136739,136829;137579,137729;140792,141000;141963,142041;143265,14342
5;158340,158443;159231,159362;162407,162433;164798,165016;165548,166962
36367 52,44230 1,173;11204,11333;15774,15832;18791,18929;31475
,31640;33103,33174;37858,38040;39458,39582;40626,40689;42210,42281;44087,44831
36367 52,44099 3,173;11204,11333;15774,15832;18791,18929;31475
,31640;32687,32758;37858,38040;39458,39582;40626,40689;42210,42281;44082,44829
36367 52,44230 3,173;11204,11333;15774,15832;18791,18929;31475
,31640;32687,32758;37858,38040;39458,39582;40626,40689;42210,42281;44087,44829
36367 52,44099 3,173;11204,11333;15774,15832;18791,18929;31475
,31640;33103,33174;37858,38040;39458,39582;40626,40689;42210,42281;44082,44829
36367 52,44230 3,173;11204,11333;15774,15832;18791,18929;31475
,31640;33103,33174;37858,38040;39458,39582;40626,40689;42210,42281;44087,44829
36368 72,2274 1,151;315,421;1415,1548;1823,1901;2131,2500
36369 263,5495 1,340;533,622;2285,2401;2480,2602;5207,5539
36370 26274,41104 1,91;16137,16269;26257,26344;28192,28330;309
40,31091;32538,32689;38611,38767;41091,41280
36370 26274,49901 1,91;16137,16269;26257,26344;28192,28330;309
40,31091;32538,32689;38611,38767;41879,41978;44987,45065;46837,46886;48323,50848
36370 26274,49901 26254,26344;28192,28330;30940,31091;32538,32
689;38611,38767;41879,41978;44987,45065;46837,46886;48323,50845
36371 178,326183 1,295;36654,36771;46517,46551;64649,64810;735
99,73673;96724,96809;146214,146319;168157,168283;188775,188859;192304,192391;193

577,193637;201585,201750;250480,250558;300694,300785;325481,327420
36371 178,326183 1,295;36654,36771;46517,46551;64649,64810;735
99,73673;96724,96809;146214,146319;168157,168287;188779,188859;192304,192391;193
577,193637;201585,201750;250480,250558;300694,300785;325481,327420
36372 3371,212150 1,78;3330,3467;71807,71958;121434,121476;123
699,124117;133648,133820;134491,134527;166087,166274;188359,188533;202543,202723
;205510,205630;210505,210620;212061,212704;212840,213564
36372 3371,212150 41,78;3330,3467;71807,71958;121434,121476;12
3699,124117;133648,133820;134491,134527;166087,166274;188359,188533;202543,20272
3;205510,205630;210505,210620;212061,213564
36372 3371,135165 43,78;3330,3467;71807,71958;121434,121478;12
1494,121501;125467,125506;133648,133820;134491,134527;135072,136207
36373 3371,212150 1,78;3330,3467;71807,71958;121434,121476;123
699,124117;133648,133820;134491,134527;166087,166274;188359,188533;202543,202723
;205510,205630;210505,210620;212061,212704;212840,213564
36373 3371,212150 41,78;3330,3467;71807,71958;121434,121476;12
3699,124117;133648,133820;134491,134527;166087,166274;188359,188533;202543,20272
3;205510,205630;210505,210620;212061,213564
36373 3371,135165 43,78;3330,3467;71807,71958;121434,121478;12
1494,121501;125467,125506;133648,133820;134491,134527;135072,136207
36374 16090,42500 1,20;14113,14203;16079,16206;17268,17396;206
07,20726;22116,22236;24582,24758;25824,25926;26414,26577;26964,27055;31642,31822
;32546,32742;35094,35185;36115,36155;36948,37073;38846,39024;39848,39943;40348,4
0429;41211,41291;42070,42154;42439,44755
36374 16090,42500 1,20;14113,14203;16079,16206;17268,17396;206
07,20726;22116,22236;24582,24758;25824,25926;26414,26577;26964,27055;31642,31822
;32546,32742;35094,35194;36115,36155;36948,37073;38846,39024;39848,39943;40348,4
0429;41211,41291;42070,42154;42439,44755
36375 544,53565 1,589;801,915;31550,31635;33299,33442;33666,33
821;33927,34071;34964,35139;36133,36261;37467,37652;39748,39989;40370,40515;4267
7,42901;46885,47091;50420,50550;50942,51088;53356,54201
36375 544,53565 38,589;801,915;31550,31635;33299,33442;33666,3
3821;33927,34071;34964,35139;36133,36261;37467,37652;39748,39989;40370,40515;426
77,42901;46885,47091;50420,50550;50942,51088;53356,54203
36376 649,117087 1,810;30403,30582;48665,48856;57810,57989;765
42,76774;80947,81076;89097,89228;99377,99620;111066,111134;116905,120146
36376 802,117087 1,810;30403,30582;48665,48856;57810,57989;765
42,76774;80947,81076;89097,89228;99377,99620;111066,111134;116905,120146
36377 139,2118 1,284;1761,1881;2052,3328
36378 358,190018 1,482;158256,158494;169516,169601;177853,1779
91;183160,183257;188754,188911;189792,192978;192985,195303
36378 358,190018 1,482;158256,158494;169516,169601;177853,1779
91;183160,183257;188754,188911;189792,195303
36378 158305,253498 158240,158494;169516,169601;177853,177991;
183160,183257;188754,188911;218936,219040;253458,254523
36379 137,17655 1,273;10239,10382;12364,13207;13737,13841;1470
7,14750;16153,16225;16331,16468;16803,16889;17216,17290;17649,18702
36379 236,17655 1,273;10239,10382;12364,13207;13737,13841;1470
7,14750;16153,16225;16331,16468;16803,16889;17216,17290;17649,18703
36380 8,28160 1,221;3594,3748;3832,3939;4672,4733;5951,6050;10

016,10139;11681,11739;13201,13333;20299,20492;20625,20695;26008,26161;27713,27834;28123,29376

36380 8,28160 3,221;3594,3748;3832,3939;4672,4733;5951,6050;10016,10139;11681,11739;13201,13333;20299,20492;20625,20695;26008,26161;27713,27834;28123,29376

36381 0,40374 1,12;19958,20062;20244,20303;22265,22468;22995,23108;23348,23482;24188,24305;26604,26872;27704,27902;28032,28141;28318,28452;29154,29343;29474,29649;33536,33672;34197,34347;34486,34654;34891,35045;35299,35422;35622,35767;35953,36083;38692,38793;38945,39036;40346,42634

36381 14913,40374 14810,14925;19958,20062;20244,20303;22265,22468;22995,23108;23348,23482;24188,24305;26604,26872;27704,27902;28032,28141;28318,28452;29154,29343;29474,29649;33536,33672;34197,34347;34486,34654;34891,35045;35299,35422;35622,35767;35953,36083;38692,38793;38945,39036;40346,42634

36382 2454,27654 1,290;2454,2632;8967,9075;9462,9599;27606,29172

36382 2526,14432 2526,2632;8967,9075;9462,9599;14387,14481;27606,28903

36383 69,7005 1,98;1221,1262;5674,5797;6474,6551;6928,8743

36384 374,4878 1,450;3735,4022;4460,5244

36385 634,1162 1,55;154,1663

36385 634,1162 19,55;154,1914

36386 44324,45867 1,181;6070,6142;44281,44507;45292,46333

36386 35666,45867 35537,35724;44281,44507;45292,46333

36386 44324,45867 37902,37997;44281,44507;45292,46333

36386 38416,45867 37960,37997;38249,38432;44281,44507;45292,46333

36386 38416,45867 38101,38432;44281,44507;45292,46333

36386 44324,45867 39520,39702;44281,44507;45292,46333

36386 39906,45867 39520,40309;44281,44507;45292,46333

36386 44324,45867 41701,41783;44281,44507;45292,46333

36387 12198,42355 1,330;12172,12930;40806,40907;40995,41086;41178,41272;41383,41597;41709,41880;42036,45675

36388 392,6770 1,542;6582,9151

36388 392,6732 1,542;871,1058;6582,9151

36389 392,6770 1,542;6582,9151

36389 392,6732 1,542;871,1058;6582,9151

36390 382,200498 1,491;49107,49274;58104,58317;59366,59528;85461,85592;86865,87002;88431,88670;89691,89858;90266,90322;96669,96710;96941,97003;108737,108811;108985,109077;110784,110840;112045,112098;112468,112521;114960,115013;116438,116491;120120,120173;121888,121932;123876,123929;124649,124693;125195,125248;125505,125549;126605,126658;130985,131029;133054,133107;138297,138341;140862,140915;143184,143291;144190,144243;147350,147403;153277,153321;153457,153510;154569,154613;155043,155096;156603,156656;160149,160202;161083,161190;163170,163259;163356,163409;164384,164491;167378,167485;168450,168503;169534,169587;169687,169794;170644,170697;170800,170907;172178,172231;172992,173099;173771,173824;174130,174183;175221,175274;175973,176026;176851,176958;177043,177096;177195,177248;178311,178418;180292,180345;181193,181228;181611,181664;182795,183050;183987,184099;188171,188239;193166,193399;200352,201088

36390 382,200498 1,491;49107,49274;58104,58317;59366,59528;85461,85592;86865,87002;88431,88670;89691,89858;90266,90322;96669,96710;96941,97003

;108737,108811;108985,109077;110784,110840;112045,112098;112468,112521;114960,115013;116438,116491;120120,120173;121888,121932;123876,123929;124649,124693;125195,125248;125505,125549;126605,126658;130985,131029;133054,133107;140757,140778;140793,140818;140862,140915;143184,143291;144190,144243;147350,147403;153277,153321;153457,153510;154569,154613;155043,155096;156603,156656;160149,160202;161083,161190;163170,163259;163356,163409;164384,164491;167378,167485;168450,168503;169534,169587;169687,169794;170644,170697;170800,170907;172178,172231;172992,173099;173771,173824;174130,174183;175221,175274;175973,176026;176851,176958;177043,177096;177195,177248;178311,178418;180292,180345;181193,181228;181611,181664;182795,183050;183987,184099;188171,188239;193166,193399;200352,201088

36391 22,108963 13,33;978,1031;25413,25555;38287,38402;49728,49867;56969,57115;59371,59509;60180,60273;67354,67438;79034,79115;80739,80897;83960,84012;84550,84630;100469,100609;102647,102785;106289,106447;106575,106665;108761,109865

36391 25413,108963 1,33;978,1031;25413,25555;38287,38402;49728,49867;56969,57115;59371,59509;60180,60273;67354,67438;79034,79115;80739,80897;83960,84012;84550,84630;100469,100609;102647,102785;106289,106447;106575,106665;108761,109865

36392 395,4416 1,77;323,420;1286,1385;3043,3106;3919,4047;4134,4244;4327,4695

36393 45610,86059 1,120;45593,45666;48044,48120;48739,48829;62702,62777;63185,63270;66173,66221;69044,69195;73344,73517;78046,78132;82320,82428;83175,83270;83355,83422;85870,87405

36393 45610,86059 818,935;45593,45666;48044,48120;48739,48829;62702,62777;63185,63270;66173,66221;69044,69195;73344,73517;78046,78132;82320,82428;83175,83270;83355,83422;85870,87405

36393 45610,86059 818,960;45593,45666;48044,48120;48739,48829;62702,62777;63185,63270;66173,66221;69044,69195;73344,73517;78046,78132;82320,82428;83175,83270;83355,83422;85870,87405

36394 270,45035 1,372;5879,5987;11200,11357;12248,12315;14556,14756;17250,17336;21614,21740;22749,22834;24217,24310;26294,26440;27642,27748;28800,28920;34248,34392;34529,34628;35228,35363;35953,36028;39301,39446;40507,40569;41102,41232;44706,44798;44891,46690

36395 5516,7929 1,182;5420,6836;7705,8019;8523,8596;14003,14052;14604,14734;16899,17111

36395 5516,7064 17,182;5420,8019;8523,8596;14003,14052;14604,14734;16899,17106

36395 5516,7064 17,182;5421,8019;8524,8596;14004,14052;14605,14734;16900,17106

36395 8309,16945 8279,8323;8524,8596;14004,14052;14605,14734;16900,18649

36396 1090,13959 1,74;1079,1185;4925,5076;5167,5197;5677,5706;5711,5755;5761,5795;6456,6534;6539,6596;6696,6732;7770,7779;7785,7831;7975,8071;8076,8209;9354,9534;13412,13532;13620,13735;13872,14204

36396 1090,6503 1,74;1079,1185;4925,5076;5167,5197;5677,5795;6182,6196;6454,6592;6696,6732;7770,7831;7975,8209;9354,9534;13412,13532;13620,13735;13872,14208

36396 1090,7106 1,74;1079,1185;4925,5076;5167,5197;5677,5795;6456,6592;6696,6732;7009,7356

36396 1090,13959 1,74;1079,1185;4925,5076;5167,5197;5677,5795;

6456,6592;6696,6732;7770,7831;7975,8209;9354,9534;13412,13532;13620,13735;13872,
14208

36396 1090,13959 1,74;1079,1185;4925,5076;5167,5197;6182,6196;
6454,6592;6696,6732;7770,7831;7975,8209;9354,9534;13412,13532;13620,13735;13872,
14208

36396 1090,13959 1,74;1079,1185;4925,5076;5167,5197;6182,6198;
6456,6592;6696,6732;7770,7831;7975,8209;9354,9534;13412,13532;13620,13735;13872,
14208

36396 1090,6503 19,74;1079,1185;4925,5076;5167,5197;5677,5795;
6182,6198;6456,6592;6696,6732;7770,7831;7975,8209;9354,9534;13412,13532;13620,13
735;13872,14208

36397 1090,13959 1,74;1079,1185;4925,5076;5167,5197;5677,5706;
5711,5755;5761,5795;6456,6534;6539,6596;6696,6732;7770,7779;7785,7831;7975,8071;
8076,8209;9354,9534;13412,13532;13620,13735;13872,14204

36397 1090,6503 1,74;1079,1185;4925,5076;5167,5197;5677,5795;6
182,6196;6454,6592;6696,6732;7770,7831;7975,8209;9354,9534;13412,13532;13620,137
35;13872,14208

36397 1090,7106 1,74;1079,1185;4925,5076;5167,5197;5677,5795;6
456,6592;6696,6732;7009,7356

36397 1090,13959 1,74;1079,1185;4925,5076;5167,5197;5677,5795;
6456,6592;6696,6732;7770,7831;7975,8209;9354,9534;13412,13532;13620,13735;13872,
14208

36397 1090,13959 1,74;1079,1185;4925,5076;5167,5197;6182,6196;
6454,6592;6696,6732;7770,7831;7975,8209;9354,9534;13412,13532;13620,13735;13872,
14208

36397 1090,13959 1,74;1079,1185;4925,5076;5167,5197;6182,6198;
6456,6592;6696,6732;7770,7831;7975,8209;9354,9534;13412,13532;13620,13735;13872,
14208

36397 1090,6503 19,74;1079,1185;4925,5076;5167,5197;5677,5795;
6182,6198;6456,6592;6696,6732;7770,7831;7975,8209;9354,9534;13412,13532;13620,13
735;13872,14208

36398 3076,5358 1,377;2864,3215;4901,6381

36399 3076,5358 1,377;2864,3215;4901,6381

36400 843,3469 1,60;821,886;1979,2171;2752,3611

36401 843,3469 1,60;821,886;1979,2171;2752,3611

36402 23650,24076 1,182;23389,24537;31120,31212

36402 23497,45417 23497,24011;29141,29313;32143,32292;34627,34
861;35333,35450;36950,37150;39134,39265;39469,39570;44303,44455;45294,47383

36402 23497,45417 23497,24011;29141,29313;32143,32292;34627,34
861;35333,35450;36950,37150;39134,39265;39469,39570;44303,44455;45294,47385

36403 2262,4161 1,93;349,431;702,774;1325,1389;1708,1777;2135,
4562

36403 2262,4161 1,93;349,431;702,774;1325,1389;1708,1777;2135,
4565

36403 2262,4161 2,93;349,419;702,774;1325,1389;1708,1777;2135,
4564

36403 2262,4161 4,93;714,774;1281,1389;1708,1777;2135,4564

36403 2262,4161 4,93;714,774;1281,1389;1708,1777;2135,4565

36404 17746,89544 1,148;17722,17956;21635,21811;22580,22706;23
479,23602;41423,41534;43797,44251;52102,52314;60388,60543;86518,86721;89031,8996

5

36404 17746,89544 13379,15086;17722,17956;21635,21811;22580,22
706;23479,23602;41423,41534;43797,44251;52102,52314;60388,60543;86518,86721;8903
1,90770

36404 17746,89544 14865,15086;17722,17956;21635,21811;22580,22
706;23479,23602;41423,41534;43797,44251;52102,52314;60388,60543;86518,86721;8903
1,90770

36405 212,24400 1,568;15911,16067;19697,19822;20099,20269;2048
1,20606;21195,21415;21508,21730;22215,22322;22407,22526;22948,23037;23782,24051;
24374,25374

36405 212,23058 1,568;15911,16067;19697,19822;20099,20269;2048
1,20606;21195,21415;21508,21730;22215,22322;22407,22526;22948,23159

36405 212,24400 1,568;15911,16067;19697,19822;20099,20269;2048
1,20606;21195,21415;21508,21730;22215,22322;22407,22526;23782,24051;24374,25374

36405 212,23058 48,568;15911,16067;19697,19822;20099,20269;204
81,20606;21195,21415;21508,21682;22993,23058

36406 487,367423 1,62;456,541;1003,1131;60220,60370;96334,9650
7;96597,96693;99042,99114;99232,99314;100206,100334;101507,101609;161615,161706;
164962,165064;172502,172630;210747,210872;265386,265508;269092,269187;343635,343
775;352872,353065;354180,354356;356127,356351;367372,368074

36407 286,27648 1,311;7749,7830;10564,10724;14161,14235;18113,
18214;20443,20512;27447,29368

36407 286,27648 23,311;7749,7830;10564,10724;14161,14235;18113
,18214;20443,20512;27447,29367

36408 97,42892 1,198;1088,1149;32554,32598;34979,35137;39670,3
9779;42794,43351

36408 32596,163211 32553,32598;72270,72341;82107,82288;104987,
105093;141721,141810;151106,151235;152218,152354;156014,156067;156184,156383;160
840,160901;161183,161324;162230,163487

36408 72279,163211 32553,32598;72270,72341;82107,82288;104987,
105093;141721,141810;151106,151235;152218,152354;156014,156067;156184,156383;160
840,160901;161183,161324;162230,163487

36409 3314,6668 1,73;3273,3350;4389,4478;4664,4690;4793,4879;5
042,5086;5857,5944;6245,6318;6564,7081

36409 3314,6668 909,1000;3273,3350;4389,4478;4664,4690;4793,48
79;5042,5086;5857,5944;6245,6318;6564,7081

36409 3314,6668 943,1000;3273,3350;4389,4478;4664,4690;4793,48
79;5042,5086;5857,5944;6245,6318;6564,7081

36410 55,7985 1,767;2236,2356;4552,4675;5520,5659;7841,11364

36411 117,22023 1,189;690,868;21127,21228;21969,22211

36412 297,8880 1,399;947,1082;1773,1953;8682,9247

36413 4498,100790 176,332;4488,4658;5390,5425;35325,35486;3681
0,36890;36995,37090;37199,37317;39077,39142;58433,58567;60522,60623;62322,62458;
62568,62661;63774,63902;64690,64788;67475,67555;68881,68984;80721,80779;87233,87
352;88823,88956;89063,89128;92448,92543;92867,92943;100691,104034

36413 4498,100790 1,87;4488,4658;5390,5425;35325,35486;36810,3
6890;36995,37090;37199,37317;39077,39142;58433,58567;60522,60623;62322,62458;625
68,62661;63774,63902;64690,64788;67475,67555;68881,68984;80721,80779;87233,87352
;88823,88956;89063,89128;92448,92543;92867,92943;100691,104034

36413 4498,100790 4499,4658;5390,5425;35325,35486;36810,36890;

36995,37090;37199,37317;39077,39142;58433,58567;60522,60623;62322,62458;62568,62661;63774,63902;64690,64788;67475,67555;68881,68984;80721,80779;87233,87352;88823,88956;89063,89128;92448,92543;92867,92943;100691,104034

36413 4498,100790 597,627;4489,4658;5390,5425;35325,35486;36810,36890;36995,37090;37199,37317;39077,39142;58433,58567;60522,60623;62322,62458;62568,62661;63774,63902;64690,64788;67475,67555;68881,68984;80721,80779;87233,87352;88823,88956;89063,89128;92448,92543;92867,92943;100691,104034

36413 4498,100790 597,814;4489,4658;5390,5425;35325,35486;36810,36890;36995,37090;37199,37317;39077,39142;58433,58567;60522,60623;62322,62458;62568,62661;63774,63902;64690,64788;67475,67555;68881,68984;80721,80779;87233,87352;88823,88956;89063,89128;92448,92543;92867,92943;100691,104034

36414 4498,100790 176,332;4488,4658;5390,5425;35325,35486;36810,36890;36995,37090;37199,37317;39077,39142;58433,58567;60522,60623;62322,62458;62568,62661;63774,63902;64690,64788;67475,67555;68881,68984;80721,80779;87233,87352;88823,88956;89063,89128;92448,92543;92867,92943;100691,104034

36414 4498,100790 1,87;4488,4658;5390,5425;35325,35486;36810,36890;36995,37090;37199,37317;39077,39142;58433,58567;60522,60623;62322,62458;62568,62661;63774,63902;64690,64788;67475,67555;68881,68984;80721,80779;87233,87352;88823,88956;89063,89128;92448,92543;92867,92943;100691,104034

36414 4498,100790 4499,4658;5390,5425;35325,35486;36810,36890;36995,37090;37199,37317;39077,39142;58433,58567;60522,60623;62322,62458;62568,62661;63774,63902;64690,64788;67475,67555;68881,68984;80721,80779;87233,87352;88823,88956;89063,89128;92448,92543;92867,92943;100691,104034

36414 4498,100790 597,627;4489,4658;5390,5425;35325,35486;36810,36890;36995,37090;37199,37317;39077,39142;58433,58567;60522,60623;62322,62458;62568,62661;63774,63902;64690,64788;67475,67555;68881,68984;80721,80779;87233,87352;88823,88956;89063,89128;92448,92543;92867,92943;100691,104034

36414 4498,100790 597,814;4489,4658;5390,5425;35325,35486;36810,36890;36995,37090;37199,37317;39077,39142;58433,58567;60522,60623;62322,62458;62568,62661;63774,63902;64690,64788;67475,67555;68881,68984;80721,80779;87233,87352;88823,88956;89063,89128;92448,92543;92867,92943;100691,104034

36415 39305,55134 1,17;39063,39366;54617,55507

36415 193,10145 193,237;240,297;9232,9350;10027,10029;10034,10144

36415 39305,55134 38862,39366;54617,55501

36415 193,10145 47,297;9232,9350;10027,10570

36416 13,37264 1,332;5022,5117;11811,11932;13343,13429;15949,16098;18067,18179;21463,21522;23169,23260;30243,30346;37088,38619

36416 13,37264 1,332;5022,5117;11811,11932;13343,13429;15949,16098;18067,18179;23169,23260;30243,30346;37088,38619

36416 13,37264 14,332;5022,5117;11811,11932;13343,13429;15949,16098;18067,18179;23169,23260;30243,30346;37088,38091

36416 13,37264 8,332;5022,5117;11811,11932;13343,13429;15949,16098;18067,18179;21463,21522;23169,23260;30243,30346;37088,37549

36417 767,27678 1,45;713,1182;11840,12107;13309,13499;19670,19773;20115,20251;20585,20611;20702,20800;20995,21112;25526,25591;26145,26223;26329,26386;26545,26600;26748,26823;27297,28701

36417 767,27678 1,45;713,1182;11840,12107;13309,13499;19670,19773;20115,20278;20702,20800;20995,21112;26145,26223;26329,26386;26545,26600;26748,26823;27297,28701

36417 590,27678 326,1182;11840,12107;13309,13499;19670,19773;2
0115,20251;20585,20611;20702,20800;20995,21112;26145,26223;26329,26386;26545,266
00;26748,26823;27297,28701

36417 767,19724 767,1182;11840,12107;19670,19723

36418 179,2684 1,245;486,537;628,711;2156,2257;2348,2388;2514,
3034

36418 107,20544 1,245;486,537;628,767;925,936;2215,2253;2349,2
388;2514,2533;2536,2553;2556,2635;20523,20544

36418 179,2684 15,245;486,537;628,711;2156,2257;2348,2388;2514
,3036

36419 17,2136 1,195;1354,1571;1996,2845

36420 7,3256 1,73;659,762;3196,3275;5713,5867

36420 7,3256 2,73;659,762;3196,3275;5713,5867

36421 1,233837 1,225;208081,208254;210058,210229;233676,236239

36421 131498,233837 131305,131584;208081,208254;210058,210229;
233676,235506

36421 131513,233837 131309,131584;208081,208254;210058,210229;
233676,236239

36422 121,177353 1,406;17797,17913;25908,26033;35822,35983;378
33,37900;44659,44839;60793,60894;61942,62111;68447,68639;70376,70493;70706,70779
;80254,80342;91338,91516;93033,93219;97750,97878;98375,98460;101727,101899;10297
7,103108;105104,105195;106381,106627;107309,107447;114730,114903;117947,118060;1
22031,122153;125071,125190;131248,131373;134012,134119;135810,135941;137049,1371
80;137830,137964;138791,138946;143413,143562;151983,152114;152903,153029;153192,
153361;154635,154747;154976,155080;155894,155966;158866,158948;160526,160622;162
661,162845;166564,166683;167543,167707;168854,169028;169952,170058;172875,173067
;175345,175557;177286,177481

36422 121,177353 40,406;17797,17913;25908,26033;35822,35983;37
833,37900;44659,44839;60793,60894;61942,62111;68447,68639;70376,70493;70706,7077
9;80254,80342;91338,91516;93033,93219;97750,97878;98375,98460;101727,101899;1029
77,103108;105104,105195;106381,106627;107309,107447;114730,114903;117947,118060;
122031,122153;125071,125190;131248,131373;134012,134119;135810,135941;137049,137
180;137830,137964;138791,138946;143413,143562;151983,152114;152903,153029;153192
,153361;154635,154747;154976,155080;155894,155966;158866,158948;160526,160622;16
2661,162845;166564,166683;167543,167707;168854,169028;169952,170058;172875,17306
7;175345,175557;177286,177468

36423 89,12265 1,130;9301,9398;9648,9747;11489,11671;12145,128
93

36424 80,22569 1,156;806,1036;6758,6919;7004,7209;10553,10978;
12336,12490;12650,12735;14732,14931;15077,15329;18908,19101;20243,20327;20916,21
078;21745,21931;22276,22619;206303,206368

36424 109372,170443 99107,99429;109346,109468;111375,111467;12
2700,122740;129223,129322;134460,134573;143606,143726;158432,158565;162183,16225
6;165193,165260;165455,165547;166210,166401;166930,167078;167768,167899;168399,1
68528;168908,169085;170215,172975

36424 109372,170443 99107,99429;109346,109468;122700,122740;12
9223,129322;134460,134573;143606,143726;158432,158565;162183,162256;165193,16526
0;165455,165547;166210,166401;166930,167078;167768,167899;168399,168528;168908,1
69085;170215,172975

36424 99425,170443 99107,99429;109347,109468;111375,111467;122

700, 122740; 129223, 129322; 134460, 134573; 143606, 143726; 158432, 158565; 162183, 162256
; 165193, 165260; 165455, 165547; 166210, 166401; 166930, 167078; 167768, 167899; 168399, 16
8528; 168908, 169085; 170215, 172975

36424 99425, 170443 99107, 99429; 109347, 109468; 122700, 122740; 129
223, 129322; 134460, 134573; 143606, 143726; 158432, 158565; 162183, 162256; 165193, 165260
; 165455, 165547; 166210, 166401; 166930, 167078; 167768, 167899; 168399, 168528; 168908, 16
9085; 170215, 172975

36425 221, 68256 1, 261; 27452, 27499; 28441, 28487; 53984, 54056; 5741
7, 57493; 58885, 58977; 59466, 59504; 59893, 60018; 61176, 61252; 68085, 68615

36425 1001, 68256 1, 261; 808, 1011; 27452, 27499; 28441, 28487; 53984,
54056; 57417, 57493; 58885, 58977; 59466, 59504; 59893, 60018; 61176, 61252; 68085, 68615

36425 221, 68256 8, 261; 27452, 27499; 28441, 28487; 53984, 54056; 5741
7, 57493; 58885, 58977; 59466, 59504; 59893, 60018; 61176, 61252; 68085, 68525

36426 4466, 9765 1, 123; 4443, 5061; 9467, 10073

36426 4466, 9765 3288, 4178; 4443, 5061; 9467, 10072

36427 1262, 26850 1, 1159; 1173, 1766; 26620, 29716

36427 1262, 26850 1, 1766; 26620, 29716

36428 252, 4836 1, 254; 2856, 2987; 3553, 3633; 4737, 5275

36428 252, 6399 1, 254; 2856, 2987; 3553, 3633; 6300, 6502

36429 6451, 47726 1, 107; 6406, 6761; 14595, 14694; 32658, 32744; 35562
, 35730; 40122, 40393; 42018, 42098; 43819, 43894; 47661, 47726; 50117, 50474

36429 6451, 50134 1, 107; 6406, 6761; 14595, 14694; 32658, 32744; 35562
, 35730; 40122, 40393; 42018, 42098; 43819, 43894; 47661, 47726; 50117, 50474

36429 6451, 6766 1, 107; 6406, 8028

36430 11388, 71568 11127, 11630; 12174, 12340; 14303, 14506; 20317, 20
498; 20675, 20786; 24604, 24727; 25071, 25173; 25275, 25372; 26375, 26514; 27558, 27745; 2984
0, 29963; 30549, 30712; 30993, 31094; 31209, 31364; 31458, 31608; 34037, 34161; 34256, 34368;
34486, 34620; 37895, 38025; 41137, 41273; 41523, 41656; 42349, 42524; 46203, 46305; 50553, 50
778; 52600, 52711; 60629, 60764; 62322, 62434; 63444, 63655; 65306, 65403; 66327, 66414; 6651
5, 66648; 71451, 73937

36430 959, 71568 1, 332; 892, 1041; 11420, 11630; 12174, 12340; 14303, 1
4506; 20317, 20498; 20675, 20786; 24604, 24727; 25071, 25173; 25275, 25372; 26375, 26514; 275
58, 27745; 29840, 29963; 30549, 30712; 30993, 31094; 31209, 31353; 31438, 31608; 34037, 34161
; 34256, 34368; 34486, 34620; 37895, 38025; 41137, 41273; 41523, 41656; 42349, 42524; 46203, 4
6305; 50553, 50778; 52600, 52711; 60629, 60764; 62322, 62434; 63444, 63655; 65306, 65403; 663
27, 66414; 66515, 66648; 71451, 73937

36430 959, 71568 1, 332; 892, 1041; 11420, 11630; 12174, 12340; 14303, 1
4506; 20317, 20498; 20675, 20786; 24604, 24727; 25071, 25173; 25275, 25372; 26375, 26514; 275
58, 27745; 29840, 29963; 30549, 30712; 30993, 31094; 31209, 31364; 31458, 31608; 34037, 34161
; 34256, 34368; 34486, 34620; 37895, 38025; 41137, 41273; 41523, 41656; 42349, 42524; 46203, 4
6305; 50553, 50778; 52600, 52711; 60629, 60764; 62322, 62434; 63444, 63655; 65306, 65403; 663
27, 66414; 66515, 66648; 71451, 73937

36430 2586, 71568 2587, 2620; 11420, 11630; 12174, 12340; 14303, 14506
; 20317, 20498; 20675, 20786; 24604, 24727; 25071, 25173; 25275, 25372; 26375, 26514; 27558, 2
7745; 29840, 29963; 30549, 30712; 30993, 31094; 31209, 31353; 31438, 31608; 34037, 34161; 342
56, 34368; 34486, 34620; 37895, 38025; 41137, 41273; 41523, 41656; 42349, 42524; 46203, 46305
; 50553, 50778; 52600, 52711; 60629, 60764; 62322, 62434; 63444, 63655; 65306, 65403; 66327, 6
6414; 66515, 66648; 71451, 73937

36430 959, 71568 406, 535; 892, 1041; 11420, 11630; 12174, 12340; 14303
, 14506; 20317, 20498; 20675, 20786; 24604, 24727; 25071, 25173; 25275, 25372; 26375, 26514; 2

7558,27745;29840,29963;30549,30712;30993,31094;31209,31364;31458,31608;34037,34161;34256,34368;34486,34620;37895,38025;41137,41273;41523,41656;42349,42524;46203,46305;50553,50778;52600,52711;60629,60764;62322,62434;63444,63655;65306,65403;6327,66414;66515,66648;71451,73937

36430 959,71568 406,535;952,1041;11420,11630;12174,12340;14303,14506;20317,20498;20675,20786;24604,24727;25071,25173;25275,25372;26375,26514;27558,27745;29840,29963;30549,30712;30993,31094;31209,31364;31458,31608;34037,34161;34256,34368;34486,34620;37895,38025;41137,41273;41523,41656;42349,42524;46203,46305;50553,50778;52600,52711;60629,60764;62322,62434;63444,63655;65306,65403;6327,66414;66515,66648;71451,73937

36430 959,71568 406,815;892,1041;11420,11630;12174,12340;14303,14506;20317,20498;20675,20786;24604,24727;25071,25173;25275,25372;26375,26514;27558,27745;29840,29963;30549,30712;30993,31094;31209,31353;31438,31608;34037,34161;34256,34368;34486,34620;37895,38025;41137,41273;41523,41656;42349,42524;46203,46305;50553,50778;52600,52711;60629,60764;62322,62434;63444,63655;65306,65403;6327,66414;66515,66648;71451,73937

36430 959,71568 406,815;892,1041;11420,11630;12174,12340;14303,14506;20317,20498;20675,20786;24604,24727;25071,25173;25275,25372;26375,26514;27558,27745;29840,29963;30549,30712;30993,31094;31209,31364;31458,31608;34037,34161;34256,34368;34486,34620;37895,38025;41137,41273;41523,41656;42349,42524;46203,46305;50553,50778;52600,52711;60629,60764;62322,62434;63444,63655;65306,65403;6327,66414;66515,66648;71451,73937

36430 2586,71568 892,1041;2478,2620;11420,11630;12174,12340;14303,14506;20317,20498;20675,20786;24604,24727;25071,25173;25275,25372;26375,26514;27558,27745;29840,29963;30549,30712;30993,31094;31209,31364;31458,31608;34037,34161;34256,34368;34486,34620;37895,38025;41137,41273;41523,41656;42349,42524;46203,46305;50553,50778;52600,52711;60629,60764;62322,62434;63444,63655;65306,65403;66327,66414;66515,66648;71451,73937

36431 326,25380 1,1428;16397,16505;19960,20097;20610,20766;21350,21445;23002,23117;25374,25677

36431 326,25380 22,1428;16397,16505;19960,20097;20610,20766;21350,21445;23002,23117;25374,25678

36432 114,2152 1,175;1770,1832;2046,2479

36433 483,5984 1,111;429,485;651,761;1140,1264;1458,1645;1904,2107;2435,2518;2605,2687;2772,2873;2979,3084;3178,3229;3400,3488;3640,3728;3822,3938;4709,4822;5081,5168;5835,6058

36433 483,5984 1,111;429,485;651,761;1140,1264;1458,1645;1904,2107;2435,2518;2605,2687;2772,2873;2979,3084;3178,3229;3400,3488;3640,3737;3822,3938;4709,4822;5081,5168;5835,6058

36433 483,5984 1,485;651,761;1140,1264;1458,1645;1904,2107;2435,2518;2605,2687;2772,2873;2979,3084;3178,3229;3400,3488;3640,3737;3822,3938;4709,4822;5081,5168;5835,6058

36433 483,5984 61,485;651,761;1140,1264;1458,1645;1904,2107;2435,2518;2605,2687;2772,2873;2979,3084;3178,3229;3400,3488;3640,3728;3822,3938;4709,4822;5081,5168;5835,6058

36434 38,15620 1,61;3971,4045;4328,4528;10748,10858;10945,11064;11207,11370;13712,13854;14023,14108;14327,14467;14543,14617;15581,15980

36434 38,15620 1,61;3971,4045;4328,4528;10748,10858;10945,11064;11207,11370;13712,13854;14023,14108;14327,14467;14543,14617;15581,15982

36435 208,31846 1,239;15355,15435;17598,17712;24717,24779;2635

1,26504;27848,27941;31731,31858;32675,33639
36435 208,31846 1,239;15355,15435;17598,17712;24717,24779;2635
1,26505;27846,27941;31731,31858;32675,33639
36436 13510,45833 13410,13656;19954,20043;27147,27344;41579,41
776;45719,47407;49047,49118;51262,51364;52323,52421;53154,55357
36436 40,52421 1,51;863,961;2208,2291;2587,2628;4053,4136;1045
5,10541;19954,20043;27147,27344;41579,41776;45719,45829;47327,47407;49047,49118;
51262,51364;52323,52421;53154,53816;53825,55351
36436 23588,52421 23579,23710;27147,27344;41579,41776;45719,45
829;47327,47407;49047,49118;51262,51364;52323,52421;53154,55353
36436 8,52421 9,34;863,961;2208,2291;2587,2628;4053,4136;10455
,10541;19954,20043;27147,27344;41579,41776;45719,45829;47327,47407;49047,49118;5
1262,51364;52323,52421;53154,55351
36437 742,1348 1,103;671,2145
36438 101403,149238 101403,101498;106609,106730;108165,108212;
123068,123230;127559,127702;131609,131677;137787,137938;141910,142076;148734,148
839;149054,150248
36438 1,149238 1,15;8623,8689;96206,96309;106609,106730;108165
,108212;123068,123230;127559,127702;131609,131677;137787,137938;141910,142076;14
8734,148839;149054,150248
36438 96307,149238 73134,73171;96206,96309;106609,106730;12306
8,123230;127556,127702;131609,131677;137787,137938;141910,142076;148734,148839;1
49054,149237
36438 96307,149238 73142,73171;96206,96309;106609,106730;10816
5,108212;123068,123230;127556,127702;131609,131677;137787,137938;141910,142076;1
48734,148839;149054,150248
36439 0,233200 1,148;115196,115218;232544,232957;232960,233127
;233129,233200
36439 218479,223764 218459,218582;219848,220033;222330,222545;
223389,223616;223706,225441
36439 218479,223764 218473,218582;219848,220033;222330,222545;
223389,223616;223706,225445
36439 76293,408997 76294,76870;92550,92753;408609,408997
36440 169,25298 1,214;318,418;1294,1332;1946,2089;4351,4474;71
88,7246;8618,8759;9393,9517;11052,11110;19022,19116;20893,20997;25197,25565
36440 169,25298 1,214;318,418;1946,2089;4351,4474;7188,7246;86
18,8759;9393,9517;11052,11110;19022,19116;20893,20997;25197,25565
36441 23,14522 1,155;927,980;12945,13067;14457,14660;27888,281
01
36441 23,14522 6,155;927,980;12945,13067;14457,14653
36442 126165,303257 1,190;58307,58352;126162,126238;140913,141
057;152950,153083;156931,156985;157831,157959;220097,220219;239409,239504;252102
,252218;254473,254577;274021,274182;292158,292292;298515,298598;298719,298896;29
9206,299426;300464,300593;301088,301170;303173,305301
36443 11985,24331 1,103;11984,13014;22857,22993;24286,25857
36444 266039,384219 1,32;265983,266698;310399,310494;337895,33
8002;350958,351106;358836,358963;363746,363889;373779,373940;378509,378716;38387
0,385198
36444 266039,384219 213095,213296;265983,266698;310399,310494;
337895,338002;350958,351106;358836,358963;363746,363889;373779,373940;378509,378

716;383870,385460

36444 266039,384219 213167,213296;265983,266698;310399,310494;
337895,338002;350958,351106;358836,358963;363746,363889;373779,373940;378509,378
716;383870,385460

36444 266039,383974 213167,213296;265983,266698;310399,310494;
337895,338002;350958,351106;358836,358963;363746,363889;373779,373940;378509,378
716;383970,385460

36445 4559,116262 1,471;4465,4724;32729,32995;33854,33931;4697
4,47143;59718,59841;78264,78454;79604,79751;83114,83310;94492,94643;97486,97607;
99828,99938;101711,101901;110320,110442;111009,111079;112901,113038;114630,11473
5;116256,116578

36445 4616,118383 197,471;4466,4724;32729,32995;33854,33931;46
974,47143;59718,59841;78264,78454;80757,80765;80970,81114;83114,83310;94492,9464
3;97486,97607;99828,99938;101711,101901;110320,110442;111009,111079;112901,11303
8;114630,114735;118320,118382

36445 4616,60040 30,471;4466,4724;32729,32995;33854,33931;4697
4,47143;59718,59841;60023,60467;423000,423016;539908,539930

36445 4616,60040 30,471;4466,4724;32729,32995;33854,33931;4697
4,47143;59718,59841;60023,60467

36445 4616,80984 30,471;4466,4724;32729,32995;33854,33931;4697
4,47143;59718,59841;78264,78454;79604,79751;80970,81099

36445 4616,874561 30,471;4466,4724;32729,32995;33854,33931;469
74,47143;59718,59841;78264,78454;79604,79751;83114,83310;94492,94643;97486,97607
;99828,99938;101711,101901;110320,110442;111009,111079;112901,113038;114630,1147
35;127547,127573;874432,874560

36445 4616,116262 30,471;4466,4724;32729,32995;33854,33931;469
74,47143;59718,59841;78264,78454;79604,79751;83114,83316;94492,94643;97486,97607
;99828,99938;101711,101901;110320,110442;111009,111079;112901,113038;114630,1147
35;116256,116577

36445 4616,118577 30,471;4466,4724;32729,32995;33854,33931;469
74,47143;59718,59841;78264,78454;79604,79751;83114,83316;94492,94643;97486,97607
;99828,99938;101711,101901;110320,110442;111009,111079;112901,113038;114630,1147
35;118412,120091

36445 4616,118577 30,471;4466,4724;32729,32995;33854,33931;469
74,47143;59718,59841;78264,78454;80757,80765;80970,81114;83114,83310;94492,94643
;97486,97607;99828,99938;101711,101901;110320,110442;111009,111079;112901,113038
;114630,114735;118412,120091

36445 4616,118383 30,471;4466,4724;32729,32995;33854,33931;469
74,47143;59718,59841;78264,78454;80961,81114;83114,83310;94492,94643;97486,97607
;99828,99938;101711,101901;110320,110442;111009,111079;112901,113038;114630,1147
35;118320,120091

36445 4616,118577 30,471;4466,4724;32729,32995;33854,33931;469
74,47143;59718,59841;78264,78454;80961,81114;83114,83310;94492,94643;97486,97607
;99828,99938;101711,101901;110320,110442;111009,111079;112901,113038;114630,1147
35;118412,120091

36445 4616,118577 30,471;4466,4724;32729,32995;33854,33931;469
74,47143;59718,59841;78264,78454;80970,81114;83114,83310;94492,94643;97486,97607
;99828,99938;101711,101901;110320,110442;111009,111079;112901,113038;114630,1147
35;118412,120091

36445 4616,116262 30,471;4466,4724;32729,32995;33854,33931;469

74,47143;59718,59841;78264,78454;80970,81114;83114,83316;94492,94643;97486,97607
;99828,99938;101711,101901;110320,110442;111009,111079;112901,113038;114630,1147
35;116256,116577

36445 4616,118577 30,471;4466,4724;32729,32995;33854,33931;469
74,47143;59718,59841;78264,78454;80970,81114;83114,83316;94492,94643;97486,97607
;99828,99938;101711,101901;110320,110442;111009,111079;112901,113038;114630,1147
35;118412,120091

36445 4616,118577 30,471;4466,4724;32729,32995;33854,33931;469
74,47143;59718,59841;78264,78454;94492,94643;97486,97607;99828,99938;101711,1019
01;110320,110442;111009,111079;112901,113038;114630,114735;118412,120091

36445 4616,118577 30,471;4466,4724;33854,33931;46974,47143;597
18,59841;78264,78454;79604,79751;83114,83310;94492,94643;97486,97607;99828,99938
;101711,101901;110320,110442;111009,111079;112901,113038;114630,114735;118412,12
0091

36445 4616,118577 30,471;4466,4724;33854,33931;46974,47143;597
18,59841;78264,78454;80970,81114;83114,83316;94492,94643;97486,97607;99828,99938
;101711,101901;110320,110442;111009,111079;112901,113038;114630,114735;118412,12
0091

36445 4616,118577 30,471;4466,4724;46974,47143;59718,59841;782
64,78454;79604,79751;83114,83310;94492,94643;97486,97607;99828,99938;101711,1019
01;110320,110442;111009,111079;112901,113038;114630,114735;118412,120091

36445 4616,118577 30,471;4466,4724;46974,47143;59718,59841;782
64,78454;79604,79751;83114,83316;94492,94643;97486,97607;99828,99938;101711,1019
01;110320,110442;111009,111079;112901,113038;114630,114735;118412,120091

36445 4616,118577 4616,4724;32729,32995;33854,33931;46974,4714
3;59718,59841;83114,83310;94492,94643;97486,97607;99828,99938;101711,101901;1103
20,110442;111009,111079;112901,113038;114630,114735;118412,118576

36446 53916,169017 1,212;53313,54090;111957,112121;120697,1208
97;124485,124748;135163,135316;142817,142852;144140,144234;169003,171800

36446 53916,169130 1,212;53313,54090;111957,112121;120697,1208
97;124485,124748;135163,135316;169003,171800

36446 53916,169017 35,212;53313,54090;111957,112121;120697,120
897;124485,124748;135163,135316;142817,142852;144140,144234;169003,169691

36446 53916,169017 36,212;53312,54090;111957,112121;120697,120
897;124485,124748;135163,135316;142817,142852;144140,144234;169003,171801

36447 118923,155468 116406,118988;119102,119338;136308,136461;
136895,136969;140657,140891;141914,142008;145577,147144;149016,149192;155381,156
584

36447 94,155468 1,257;97538,97726;111298,111499;113216,113444;
118891,118988;119102,119338;136308,136461;136895,136969;138193,138309;140657,140
891;141914,142008;145580,147144;149016,149192;155381,156584

36448 251,32599 1,436;5965,6089;27049,27178;32485,35011

36449 251,32599 1,436;5965,6089;27049,27178;32485,35011

36450 1644,4717 1,55;727,837;1538,1683;1893,2037;2296,2402;457
4,4976

36451 22550,98060 1,165;22503,22670;44547,44703;51643,51762;61
094,61183;62400,62530;64210,64317;67256,67399;89653,89797;97996,98518

36451 22550,98060 22517,22670;44547,44703;51643,51762;61094,61
183;62400,62530;64210,64317;67256,67399;89653,89797;97996,99610

36452 22550,98060 1,165;22503,22670;44547,44703;51643,51762;61

094,61183;62400,62530;64210,64317;67256,67399;89653,89797;97996,98518
 36452 22550,98060 22517,22670;44547,44703;51643,51762;61094,61
 183;62400,62530;64210,64317;67256,67399;89653,89797;97996,99610
 36453 115,14473 1,214;8897,9013;11242,11363;14359,14481;17687,
 17846
 36453 115,14473 98,214;8897,9013;11242,11363;14359,14481;17687
 ,17851
 36454 93,11771 1,153;4218,4335;6375,6461;11755,14939
 36454 93,6466 1,153;4218,4335;6375,8035
 36455 90,84929 1,142;67999,68104;82994,83080;84848,85098
 36455 90,84929 41,142;67999,68104;82994,83080;84848,85098
 36456 157,42693 1,348;6676,6735;11515,11721;13709,13774;14526,
 14624;16125,16292;18745,18827;19934,20052;22326,22429;30376,30477;36320,36427;37
 728,37838;39251,39411;42614,45989
 36457 175,114850 1,482;25549,25584;77220,77272;83480,83563;961
 15,96221;101576,101729;106190,106291;108445,108519;112252,112317;112454,112592;1
 14717,117078
 36458 79,7547 1,103;1195,1470;4822,5026;7171,7610
 36458 3356,506577 3357,4001;4004,4063;506398,506577
 36458 1062,7547 918,1101;1195,1470;4822,5026;7171,7612
 36459 74,10538 1,144;7140,7260;9536,12548
 36459 74,10538 8,144;7140,7260;9536,12548
 36460 66,68027 1,661;11791,11904;28553,28686;30584,30834;35566
 ,35790;38975,39203;44324,44491;48419,48600;50316,50436;54239,54337;57707,57828;5
 8095,58212;60231,60394;67145,67292;67791,70109
 36461 7971,58720 1,38;7952,8181;12991,13183;38527,38698;40371,
 40491;47357,47521;49491,49618;51369,51561;54912,54985;58486,59389
 36462 219,31924 1,696;7938,7985;24228,24293;28158,28362;28760,
 28823;31807,32762
 36463 709,9493 1,347;656,930;8893,14654
 36463 709,9493 1,930;8893,14654
 36463 709,9493 681,930;5843,5950;8893,14654
 36464 61,1786 13,851
 36465 61,1786 13,851
 36466 23040,352774 1,154;980,1055;23025,23132;27573,27643;1343
 12,134427;145933,146019;148642,148800;150685,150783;151936,152019;152131,152277;
 158672,158767;160391,160435;164673,164827;167537,167636;168631,168791;169614,169
 755;171687,171845;173926,174098;176203,176322;177278,177475;179685,179936;180751
 ,180892;181617,181797;183163,183350;187102,187240;187913,187971;189939,190100;19
 0177,190347;190830,190895;191618,191755;195044,195169;197693,197893;200039,20029
 0;203696,203821;206362,206490;209379,209499;212716,212900;216874,217022;218306,2
 18417;223916,223948;232095,232130;233675,233722;239637,239769;241713,241903;2730
 79,273259;275060,275313;281791,281991;283813,283923;286099,286194;289168,289290;
 290365,290469;294496,294688;301614,301736;306974,307149;312652,312816;317814,318
 009;319691,319783;320972,321111;321602,321767;324631,324791;343323,343484;352688
 ,353052
 36466 23040,352774 1,154;980,1055;23025,23132;27573,27643;1343
 12,134427;145933,146019;148642,148800;150685,150783;151936,152019;152131,152277;
 158672,158767;164673,164827;167537,167636;168631,168791;169614,169755;171687,171
 845;173926,174098;176203,176322;177278,177475;179685,179936;180751,180892;181617

, 181770; 183163, 183350; 187102, 187240; 187913, 187967; 189935, 190100; 190177, 190347; 190830, 190895; 191618, 191755; 195044, 195169; 197693, 197893; 200039, 200290; 203696, 203821; 206362, 206490; 209379, 209499; 212716, 212900; 216874, 217022; 218306, 218417; 239637, 239769; 241713, 241903; 273079, 273259; 275060, 275313; 281791, 281991; 283813, 283923; 286099, 286194; 289168, 289290; 290365, 290469; 294496, 294688; 301614, 301736; 306974, 307149; 312652, 312816; 317814, 318009; 319691, 319783; 320972, 321111; 321602, 321767; 324631, 324791; 343323, 343484; 352688, 353944

36466 23040, 352774 23041, 23132; 27573, 27643; 134312, 134427; 145933, 146019; 148642, 148800; 150685, 150783; 151936, 152019; 152131, 152277; 158672, 158767; 160391, 160435; 164673, 164827; 167537, 167636; 168631, 168791; 169614, 169755; 171687, 171845; 173926, 174098; 176203, 176322; 177278, 177475; 179685, 179936; 180751, 180892; 181617, 181770; 183163, 183350; 187102, 187240; 187913, 187971; 189939, 190100; 190177, 190347; 190830, 190895; 191618, 191755; 195044, 195169; 197693, 197893; 200039, 200290; 203696, 203821; 206362, 206490; 209379, 209499; 212716, 212900; 216874, 217022; 218306, 218417; 239637, 239769; 241713, 241903; 273079, 273259; 275060, 275313; 281791, 281991; 283813, 283923; 286099, 286194; 289168, 289290; 290365, 290469; 294496, 294688; 301614, 301736; 306974, 307149; 312652, 312816; 317814, 318009; 319691, 319783; 320972, 321111; 321602, 321767; 324631, 324791; 343323, 343484; 352688, 352774

36466 23040, 352774 23041, 23132; 27573, 27643; 134312, 134427; 145933, 146019; 148642, 148800; 150685, 150783; 151936, 152019; 152131, 152277; 158672, 158767; 160391, 160435; 164673, 164827; 167537, 167636; 168631, 168791; 169614, 169755; 171687, 171845; 173926, 174098; 176203, 176322; 177278, 177475; 179685, 179936; 180751, 180892; 181617, 181797; 183163, 183350; 187102, 187240; 187913, 187971; 189939, 190100; 190177, 190347; 190830, 190895; 191618, 191755; 195044, 195169; 197693, 197893; 200039, 200290; 203696, 203821; 206362, 206490; 209379, 209499; 212716, 212900; 216874, 217022; 218306, 218417; 223916, 223948; 232095, 232130; 239637, 239769; 241713, 241903; 273079, 273259; 275060, 275313; 281791, 281991; 283813, 283923; 286099, 286194; 289168, 289290; 290365, 290469; 294496, 294688; 301614, 301736; 306974, 307149; 312652, 312816; 317814, 318009; 319691, 319783; 320972, 321111; 321602, 321767; 324631, 324791; 343323, 343484; 352688, 352774

36466 23040, 352774 6, 154; 980, 1055; 23025, 23132; 27573, 27643; 134312, 134427; 145933, 146019; 148642, 148800; 150685, 150783; 151936, 152019; 152131, 152277; 158672, 158767; 164673, 164827; 167537, 167636; 168631, 168791; 169614, 169755; 171687, 171845; 173926, 174098; 176203, 176322; 177278, 177475; 179685, 179936; 180751, 180892; 181617, 181797; 183163, 183350; 187102, 187240; 187913, 187971; 189939, 190100; 190177, 190347; 190830, 190895; 191618, 191755; 195044, 195169; 197693, 197893; 200039, 200290; 203696, 203821; 206362, 206490; 209379, 209499; 212716, 212900; 216874, 217022; 218306, 218417; 223916, 223948; 232095, 232130; 233675, 233722; 239637, 239769; 241713, 241903; 273079, 273259; 275060, 275313; 281791, 281991; 283813, 283923; 286099, 286194; 289168, 289290; 290365, 290469; 294496, 294688; 301614, 301736; 306974, 307149; 312652, 312816; 317814, 318009; 319691, 319783; 320972, 321111; 321602, 321767; 324631, 324791; 343323, 343484; 352688, 353946

36467 546, 14246 1, 139; 539, 650; 2527, 2742; 3493, 3596; 4723, 4822; 7023, 7099; 8960, 9059; 9886, 9957; 10175, 10243; 14195, 14306

36467 546, 10373 376, 650; 2527, 2742; 3493, 3596; 4723, 4822; 7023, 7099; 8960, 9059; 9886, 9957; 10175, 10485

36467 546, 14246 5, 139; 539, 650; 2527, 2742; 3493, 3596; 4723, 4822; 7023, 7099; 8960, 9059; 10175, 10243; 14195, 14306

36468 108, 33490 1, 378; 2726, 2838; 5634, 5732; 8289, 8356; 12814, 12902; 15318, 15443; 16582, 16756; 19457, 19557; 19841, 19931; 24697, 24820; 27481, 27655; 33355, 33497; 36417, 36455; 37234, 37381

36468 108, 36441 1, 378; 2726, 2838; 5634, 5732; 8289, 8356; 12814, 12902

2;15318,15443;16582,16756;19457,19557;19841,19931;24697,24820;27481,27655;33355,33497;36417,36455;37234,37381

36469 56,29735 1,117;12474,12567;13125,13217;16068,16115;16951,17106;19151,19300;19381,19455;20692,20879;23206,23279;24967,25163;25324,25371;26112,26264;27076,27197;27998,28116;29622,29775;30789,31147

36469 56,29735 1,117;12474,12567;13125,13217;16068,16115;16951,17106;19151,19300;19381,19455;20692,20879;23206,23279;24967,25163;25324,25371;26112,26264;27076,27197;27998,28116;29622,31147

36470 295,2575 1,339;826,927;1151,1388;2462,3137

36471 1460,5086 1,226;1446,1538;2137,2239;3968,4108;4917,5169

36472 396,684 1,832;12842,13508

36473 109285,168771 1,254;54041,54128;109251,109349;110799,111004;121951,122037;123618,123731;125899,126030;130611,130703;132505,132619;134705,134737;136773,136834;140251,140335;143055,143209;147320,147435;148316,148372;149656,149716;150081,150110;152317,152488;152953,152985;155378,155528;155822,155950;157435,157585;158276,158387;158504,158592;163274,163396;164187,164312;164904,165092;167638,167817;168480,168545;168685,171452

36473 109285,123773 1,254;54041,54128;109251,109349;110799,111004;121951,122037;123618,123854

36473 109285,168771 95,254;54041,54128;109251,109349;110799,111004;121951,122037;123618,123731;125899,126030;130611,130703;131032,131124;132505,132619;136773,136834;140251,140326;143055,143209;147320,147435;148316,148372;149656,149716;150081,150110;152317,152488;155378,155528;155822,155950;157435,157585;158276,158387;158504,158592;163274,163396;164187,164312;164904,165092;167638,167817;168480,168545;168685,171450

36474 272,11355 1,1637;4648,4764;5818,7371;11245,11377;13834,16025

36474 4990,41431 4990,5111;40757,40830;41381,41430

36474 7071,13983 7071,7371;13834,13982

36475 760,10510 1,160;719,860;3535,3686;5967,6115;7201,7320;907,9693;10312,11778

36475 760,10510 61,218;719,860;3535,3686;5967,6115;7201,7320;9607,9693;10312,10578

36476 432,218159 1,506;126404,126579;175568,175626;180548,180639;190308,190465;193065,193144;206711,206817;208751,208800;208927,209020;212431,212481;215137,215247;216412,216492;218081,218165;219031,219791

36476 126428,218159 1,506;126404,126579;175568,175626;180548,180639;190308,190465;193065,193144;206711,206826;208751,208800;208927,209020;211491,211538;212431,212481;215137,215247;216412,216492;218081,218165;219031,219791

36476 432,218159 1,506;126404,126579;175568,175626;180548,180639;190308,190465;193065,193144;206711,206826;208751,208800;208927,209020;212431,212481;215137,215247;216412,216492;218081,218165;219031,219791

36476 126428,218159 1,506;61318,61427;126404,126579;175568,175626;180548,180639;190308,190465;193065,193144;206711,206826;208751,208800;208927,209020;211491,211538;212431,212481;215137,215247;216412,216492;218081,218165;219031,219791

36476 126428,218159 85186,85286;126404,126579;175568,175626;180548,180639;190308,190465;193065,193144;206711,206826;208751,208800;208927,209020;212431,212481;215137,215139;215145,215247;216412,216428;216433,216492;218081,218165;219031,219310

36477 22025,47033 1,93;21664,22203;39123,39271;40591,40732;427
17,42877;43138,43314;45109,45313;46070,46228;46816,47580
36477 22025,47033 21925,22203;39123,39271;40591,40732;42717,42
877;43138,43314;45109,45313;46070,46228;46816,48449
36477 33511,47033 33170,33674;39123,39271;40591,40732;42717,42
877;43138,43314;45109,45313;46070,46228;46816,47602
36477 22025,47033 9104,9255;21664,22203;39123,39271;40591,4073
2;42717,42877;43138,43314;45109,45313;46070,46228;46816,47719;48250,48449
36478 175,1219 1,1230;1241,1899
36478 175,1219 1,751,218
36479 15,59157 1,3207;38260,38337;44207,44389;46910,47026;4723
8,47330;47552,47728;48086,48136;48402,48511;48619,48704;51211,51329;51697,51910;
52465,52538;53417,53616;53810,54111;54583,54832;55124,55210;55549,55616;55829,55
977;56767,56941;57055,57324;58961,60467
36480 215,60337 1,391;45720,46137;47041,47238;60317,60336
36480 215,48100 1,391;45720,47234;48073,50017
36480 215,47238 2,391;45720,47237
36481 12486,48563 1,62;12466,12498;29232,29353;32577,32696;340
43,34140;41793,41900;45004,45175;48305,48661
36481 12486,48563 1,62;12466,12498;29232,29353;32577,32696;340
43,34140;41793,41900;45004,45175;48305,48668
36482 12486,48563 1,62;12466,12498;29232,29353;32577,32696;340
43,34140;41793,41900;45004,45175;48305,48661
36482 12486,48563 1,62;12466,12498;29232,29353;32577,32696;340
43,34140;41793,41900;45004,45175;48305,48668
36483 212,330751 1,273;100915,100987;114636,114697;135697,1357
81;237537,237626;261945,262004;276692,276758;277484,277554;284213,284280;290151,
290199;302429,302464;304332,304386;308531,308601;310618,310696;313796,313824;322
571,322669;330721,331401
36484 80,175730 1,167;26490,26615;30446,30517;33691,33769;3866
2,38794;42986,43052;44669,44847;47326,47515;49482,49650;57722,57934;61643,61896;
62005,62689;62779,62900;72352,72441;73047,73149;75348,75467;75760,75981;77250,78
932;80440,80547;93018,93187;93694,93791;95127,95292;96114,96375;98701,99791;1002
89,100480;103772,103848;105868,105995;106507,106755;118219,118397;122339,122481;
124882,124967;126266,126467;131830,131947;145412,145498;148983,149104;149451,149
592;153220,153280;161851,161978;165833,165925;167500,167591;168930,168982;172870
,173087;175506,177638
36485 944,323859 1,1121;63971,64062;104907,104990;118474,11856
9;124192,124340;157490,157583;170567,170767;172389,172637;175102,175181;178384,1
78550;188895,189017;198189,198322;205213,205455;205704,205814;216887,217134;2261
35,226240;237109,237233;243762,243867;244114,244262;245827,245918;248273,248349;
270116,270199;277890,277995;282519,282655;283332,283471;284711,284792;286612,286
828;287656,287718;288876,289469;291974,292071;294779,294863;301076,301199;301929
,302046;313015,313132;323146,323303;323727,325774
36485 944,323859 1,1121;63971,64062;104907,104990;118474,11856
9;124192,124340;157490,157583;170567,170767;172389,172637;175102,175181;178384,1
78550;188895,189017;198189,198322;205704,205814;216887,217134;226135,226240;2371
09,237233;243762,243867;244114,244262;245827,245918;248273,248349;270116,270199;
277890,277995;282519,282655;283332,283471;284711,284792;286612,286828;287656,287
718;288876,289469;291974,292071;294779,294863;301076,301199;301929,302046;313015

,313132;323146,323303;323727,325774

36485 237148,323859 237147,237233;243762,243867;244114,244262;
245827,245918;248273,248349;270116,270199;277890,277995;282519,282655;283332,283
471;284711,284792;286612,286828;287656,287718;288876,289469;291974,292071;294779
,294863;301076,301199;301929,302046;307063,307248;313015,313132;323146,323303;32
3727,328260

36486 159,11296 1,370;8100,8668;11063,12358

36487 159,11296 1,370;8100,8668;11063,12358

36488 264,634519 1,460;49514,49585;56197,56268;107423,107494;4
17636,417707;456317,456388;477641,477712;483509,483672;494385,494526;505394,5054
65;511341,511412;514994,515065;526594,526737;528028,528191;538283,538433;540036,
540110;546965,547108;547874,548017;551337,551500;552538,552670;576488,576556;577
968,578039;578645,578716;588618,588689;589914,590077;592872,592996;600293,600390
;604541,604680;608272,608365;613856,613993;615045,615285;616876,617006;627641,62
7795;629489,629774;630981,631189;634283,634698

36488 264,634265 264,460;49514,49585;56197,56268;107423,107494
;417636,417707;456317,456388;477641,477712;483509,483672;494385,494526;505394,50
5465;511341,511412;514994,515065;526594,526737;528028,528191;538283,538433;54003
6,540110;546965,547108;547874,548017;551337,551500;552538,552670;576488,576556;5
77968,578039;578645,578716;588618,588689;589914,590077;592872,592996;600293,6003
90;604541,604680;608272,608365;613856,613993;615045,615285;616876,617006;627641,
627795;629489,629774;630981,631189;634182,634264

36488 264,634519 264,460;49514,49585;56197,56268;107423,107494
;417636,417707;456317,456388;477641,477712;483509,483672;494385,494526;505394,50
5465;511341,511412;514994,515065;526594,526737;528028,528191;538283,538433;54003
6,540110;546965,547108;547874,548017;551337,551500;552538,552670;576488,576556;5
77968,578039;578645,578716;588618,588689;589914,590077;592872,592996;600293,6003
90;604541,604680;608272,608365;613856,613993;615045,615285;616876,617006;627641,
627795;629489,629774;630981,631189;634283,639231

36489 264,634519 1,460;49514,49585;56197,56268;107423,107494;4
17636,417707;456317,456388;477641,477712;483509,483672;494385,494526;505394,5054
65;511341,511412;514994,515065;526594,526737;528028,528191;538283,538433;540036,
540110;546965,547108;547874,548017;551337,551500;552538,552670;576488,576556;577
968,578039;578645,578716;588618,588689;589914,590077;592872,592996;600293,600390
;604541,604680;608272,608365;613856,613993;615045,615285;616876,617006;627641,62
7795;629489,629774;630981,631189;634283,634698

36489 264,634265 264,460;49514,49585;56197,56268;107423,107494
;417636,417707;456317,456388;477641,477712;483509,483672;494385,494526;505394,50
5465;511341,511412;514994,515065;526594,526737;528028,528191;538283,538433;54003
6,540110;546965,547108;547874,548017;551337,551500;552538,552670;576488,576556;5
77968,578039;578645,578716;588618,588689;589914,590077;592872,592996;600293,6003
90;604541,604680;608272,608365;613856,613993;615045,615285;616876,617006;627641,
627795;629489,629774;630981,631189;634182,634264

36489 264,634519 264,460;49514,49585;56197,56268;107423,107494
;417636,417707;456317,456388;477641,477712;483509,483672;494385,494526;505394,50
5465;511341,511412;514994,515065;526594,526737;528028,528191;538283,538433;54003
6,540110;546965,547108;547874,548017;551337,551500;552538,552670;576488,576556;5
77968,578039;578645,578716;588618,588689;589914,590077;592872,592996;600293,6003
90;604541,604680;608272,608365;613856,613993;615045,615285;616876,617006;627641,
627795;629489,629774;630981,631189;634283,639231

36490 132735, 135249 103377, 103656; 132726, 132827; 133215, 133276;
133895, 134061; 135064, 136034

36490 394, 135249 1, 156; 317, 497; 17787, 17837; 21355, 21413; 22434, 2
2528; 23921, 23989; 34082, 34142; 35610, 35700; 36321, 36376; 43738, 43819; 44684, 44789; 455
83, 45934; 46837, 46876; 52754, 52950; 55837, 55920; 61226, 61337; 67517, 67560; 75092, 75214
; 121746, 122723; 129629, 129693; 132726, 132827; 133215, 133276; 133895, 134061; 135064, 13
6019

36490 121745, 135249 118956, 119301; 120368, 120538; 121746, 122723;
129629, 129693; 132726, 132827; 133215, 133276; 133895, 134061; 135064, 136033

36490 132215, 135249 132216, 132634; 132726, 132827; 133215, 133276;
133895, 134061; 135064, 136033

36490 132215, 135249 132216, 132635; 132727, 132827; 133215, 133276;
133895, 134061; 135064, 136033

36490 132296, 135249 132239, 132634; 132726, 132827; 133215, 133276;
133895, 134061; 135064, 136034

36490 132735, 135249 395, 497; 17787, 17837; 21355, 21413; 22434, 2252
8; 23921, 23989; 34082, 34142; 35610, 35700; 36321, 36376; 43738, 43819; 44684, 44789; 45583,
45934; 46837, 46876; 52754, 52950; 55837, 55920; 61226, 61337; 67517, 67560; 75092, 75214; 12
1746, 122723; 129629, 129693; 132726, 132827; 133215, 133276; 133895, 134061; 135064, 13524
9

36490 121745, 135249 395, 497; 17787, 17837; 21355, 21413; 22434, 2252
8; 23921, 23989; 34082, 34142; 35610, 35700; 36321, 36376; 43738, 43819; 44684, 44789; 45583,
45934; 46837, 46876; 52754, 52950; 55837, 55920; 61226, 61337; 67517, 67560; 75092, 75214; 12
1746, 122723; 129629, 129693; 132726, 132827; 133215, 133276; 133895, 134061; 135064, 13603
3

36490 394, 135249 395, 497; 17787, 17837; 21355, 21413; 22434, 22528; 2
3921, 23989; 34082, 34142; 35610, 35700; 36321, 36376; 43738, 43819; 44684, 44789; 45583, 459
34; 46837, 46876; 52754, 52950; 55837, 55920; 61226, 61337; 67517, 67560; 75092, 75214; 12174
6, 122723; 129629, 129693; 132726, 132827; 133215, 133276; 133895, 134061; 135064, 136033

36490 39872, 135249 39723, 39926; 43738, 43819; 44684, 44789; 45583, 4
5934; 46837, 46876; 52754, 52950; 55837, 55920; 61226, 61337; 67517, 67560; 75092, 75214; 121
746, 122723; 129629, 129693; 132726, 132827; 133215, 133276; 133895, 134061; 135064, 136033

36490 132735, 135249 39803, 39926; 43738, 43819; 44684, 44789; 45583,
45934; 46837, 46876; 52754, 52950; 55837, 55920; 61226, 61337; 67517, 67560; 75092, 75214; 12
9629, 129693; 132726, 132827; 133215, 133276; 133895, 134061; 135064, 136026

36491 200, 5517 1, 335; 567, 1744; 3254, 3337; 5511, 10228

36491 290, 5517 1, 335; 567, 1744; 3254, 3337; 5511, 10228

36492 66, 4516 1, 400; 3061, 3206; 3390, 3509; 4394, 4693

36493 1, 198450 1, 75; 136820, 137120; 167321, 167564; 190670, 191256;
192519, 192613; 194045, 194309; 195526, 195616; 195942, 196044; 197277, 197402; 198306, 202
425

36493 136859, 198450 75841, 75961; 136820, 137120; 167321, 167564; 19
0670, 191256; 192519, 192613; 194045, 194309; 195526, 195616; 195942, 196044; 197277, 19740
2; 198306, 202425

36494 103, 78476 1, 145; 22107, 22233; 25294, 25381; 35350, 35433; 3569
0, 35735; 39688, 39780; 43883, 43943; 49170, 49237; 57005, 57096; 57211, 57282; 78461, 78531;
79056, 79198; 83172, 83303; 87909, 87980; 94259, 94394; 94818, 95042

36494 103, 94899 55, 145; 22107, 22233; 25294, 25381; 35350, 35433; 356
90, 35735; 39688, 39780; 43883, 43943; 49170, 49237; 57005, 57096; 57211, 57282; 63419, 63555
; 78461, 78531; 79038, 79198; 83173, 83303; 87910, 87980; 94260, 94394; 94819, 94969

36494 103,94899 57,145;22107,22233;25294,25381;35350,35433;356
 90,35735;39688,39780;43883,43943;49170,49237;57005,57096;57211,57282;63419,63555
 ;78461,78531;79038,79198;83173,83303;87910,87980;94260,94394;94819,94967
 36495 14,22227 1,31;167,310;2223,2440;2975,3054;4399,4475;4649
 ,4746;5096,5288;5792,5927;6074,6120;6838,7040;8791,8950;9048,9118;22217,22226
 36495 14,9853 1,31;167,310;2223,2440;2975,3054;4399,4475;4649,
 4746;5096,5288;5792,5927;6074,6120;6838,7040;8791,8950;9048,9118;9840,10938
 36496 441,37607 1,793;6039,6481;7164,7632;31494,31539;37379,41
 686
 36496 441,37607 1,793;6039,6485;7168,7632;31494,31539;37379,41
 686
 36497 21231,88796 1,84;21191,22538;58939,59050;60390,60519;648
 61,65041;68953,69162;69781,69894;70607,70708;72652,72792;77322,77456;78709,78846
 ;79782,79925;80041,80169;80697,80822;81576,81692;82206,82334;87322,87445;88439,8
 9298
 36497 21231,88796 1,84;21191,22538;58939,59050;60390,60519;648
 61,65041;68953,69162;69781,69894;70607,70708;77322,77456;78709,78846;79782,79925
 ;80041,80169;80697,80822;81576,81692;82206,82334;87322,87445;88439,89298
 36497 21231,88796 38,84;21191,22167;22172,22538;58939,59050;60
 390,60512;63994,64000;64861,65041;68953,69162;69781,69894;70607,70708;77322,7745
 6;78709,78846;79782,79925;80041,80169;80697,80822;81576,81692;82206,82334;87322,
 87445;88439,89284
 36497 69806,88796 69807,69894;70607,70708;72652,72792;77322,77
 456;78709,78846;79782,79925;80041,80169;80697,80822;81576,81692;82206,82334;8732
 2,87445;88439,89285
 36498 10118,10340 10092,10341;11618,11778
 36498 10118,10340 10092,10342;11619,11778
 36498 28,10340 1,107;10189,10341;11618,11778
 36498 28,10340 1,107;10189,10342;11619,11778
 36498 28,10340 1,107;636,779;10189,10341;11618,11778
 36498 28,1416 1,107;636,779;1400,1528;10189,10342;11619,11778
 36498 28,9974 1,107;636,779;9889,9995
 36498 28,1416 12,107;636,779;1400,1528;10189,10341;11618,11778
 36499 9529,103852 1447,1650;9530,9779;10769,10981;25539,25721;
 26864,27118;29310,29478;30682,30818;32278,32409;34863,35074;36058,36208;37720,37
 932;40544,40757;44375,44514;45295,45426;92215,92321;93285,93510;96020,96159;9728
 0,97442;100824,100868;103620,104569
 36499 25714,103852 1447,1650;9535,9779;10769,10981;25539,25721
 ;26864,27118;29310,29478;30682,30818;32278,32409;34863,35074;36058,36208;37720,3
 7932;40544,40757;44375,44514;45295,45426;92215,92321;93285,93510;96020,96159;972
 80,97442;100824,100868;103620,104569
 36499 7750,103852 1,56;7738,7917;9535,9779;10769,10981;25539,2
 5721;26864,27118;29310,29478;30682,30818;32278,32409;34863,35074;36058,36208;377
 20,37932;40544,40757;44375,44514;45295,45426;92215,92321;93285,93510;96020,96159
 ;97280,97442;100824,100868;103620,104566
 36499 7750,103852 7087,7917;9535,9779;10769,10981;25539,25721;
 26864,27118;29310,29478;30682,30818;32278,32409;34863,35074;36058,36208;37720,37
 932;40544,40757;44375,44514;45295,45426;92215,92321;93285,93510;96020,96159;9728
 0,97442;100824,100868;103620,104565
 36500 49291,379762 1,116;49291,49364;67935,68114;152085,152220

;162627,162787;169723,169902;210292,210368;253331,253488;260361,260448;263104,263258;263903,264016;266210,266384;279159,279292;285414,285685;299663,299733;310216,310407;344777,344890;346942,347103;359065,359243;360363,360435;367855,367923;370427,370600;372808,372969;376508,376604;379719,379798;380503,382432

36500 151963,379762 151815,152220;162627,162787;169723,169902;210292,210368;253331,253488;260361,260448;263104,263258;263903,264016;266210,266384;279159,279292;285414,285685;299663,299733;310216,310407;344777,344890;346942,347103;359065,359243;360363,360435;367855,367923;370427,370600;372808,372969;376508,376604;379719,379798;380503,384797

36500 49291,379762 42,116;49291,49364;67935,68114;152085,152220;162627,162787;169723,169902;210292,210368;253331,253488;260361,260448;263104,263258;263903,264016;266210,266384;279159,279292;285414,285685;299663,299733;310216,310407;344777,344890;346942,347103;367855,367923;370427,370600;372808,372969;376508,376604;379719,379798;380503,381173

36501 35,59257 1,360;9319,9422;12641,12718;13015,13091;13389,13501;16641,16746;24975,25116;27482,27587;27882,27970;31178,31291;37119,37230;38863,39016;44665,44695;47947,48026;54609,54714;58985,61666

36502 2,89210 1,57;19515,19550;42914,43007;49261,49296;50239,50286;51339,51377;51820,52005;55222,55325;55605,55683;56082,56135;57202,57285;57495,57595;57730,57859;59036,59191;59665,59736;60375,60461;60961,61098;63114,63245;66398,66507;67514,67627;69694,69817;70809,70911;71247,71350;89201,89209

36502 42915,65825 19512,19550;42914,43007;49261,49296;50239,50286;51339,51377;51820,52005;55222,55325;55605,55683;56082,56135;57202,57285;57495,57595;57730,57859;59036,59191;59665,59736;60375,60461;60961,61098;63114,63245;65399,65824

36502 46898,59281 46793,46972;49261,49296;50239,50286;51339,51377;51820,52005;59272,59280

36502 49279,71592 5,57;19515,19550;42914,43007;49261,49296;50239,50286;51339,51377;51820,52005;55222,55325;55605,55683;56082,56135;57202,57285;57495,57595;57730,57859;59036,59191;59665,59736;60375,60461;60961,61098;63114,63245;66398,66507;67514,67627;69694,69817;70809,70911;71247,71350;71583,71625;72047,73089

36503 101,2688 1,242;707,860;2348,2436;2566,2691;2988,3075

36503 101,2688 1,242;707,860;2348,2436;2566,3075

36504 104859,105246 104,860,105,246

36504 67916,129759 1,223;67900,68049;77438,77524;79964,80050;83954,84019;88758,89510;92620,92675;95458,95655;97040,97166;101979,102244;115890,115982;119823,119904;124208,124320;129544,130988

36504 67916,129759 1,223;67900,68049;77438,77524;79964,80050;83954,84019;92620,92675;97040,97166;101979,102244;115890,115982;119823,119904;124208,124320;129544,130988

36504 67916,129759 1,223;67900,68049;83954,84019;92620,92675;97040,97166;101979,102244;115890,115982;119823,119904;124208,124320;129544,130988

36504 1906,2311 15,674,030

36504 64418,129759 64419,64437;83954,84019;92620,92675;97040,97166;101979,102244;115823,119904;124208,124320;129544,130988

36504 67916,129759 67897,68049;77438,77524;79964,80050;83954,84019;88758,89510;92620,92675;95458,95655;97040,97166;101979,102244;115890,115982

;119823,119904;124208,124320;129544,130988
36504 67916,129759 67897,68049;77438,77524;79964,80050;83954,8
4019;92620,92675;97040,97166;101979,102244;115890,115982;119823,119904;124208,12
4320;129544,130988
36504 67916,129759 67897,68049;83954,84019;92620,92675;97040,9
7166;101979,102244;115890,115982;119823,119904;124208,124320;129544,130988
36504 67916,129759 67897,68049;83954,84019;92620,92675;97040,9
7166;101979,102244;119823,119904;124208,124320;129544,130988
36504 67916,129759 67917,68049;77438,77524;79964,80050;83954,8
4019;92620,92675;97040,97166;101979,102244;119823,119904;124208,124320;129544,12
9759
36504 67916,129759 67917,68049;77438,77524;83954,84019;92620,9
2675;97040,97166;101979,102244;115890,115982;119823,119904;124208,124320;129544,
129759
36505 125,3806 112,199;868,1054;1257,1340;3530,3643;3648,3664;
3748,3775;3780,4140
36505 125,3864 1,199;868,1054;1257,1340;3530,3664;3748,4140
36505 125,3864 1,199;868,1054;1257,1340;3530,3664;3748,4142
36506 676,10589 1,182;647,758;1521,1868;5284,5565;7225,7446;79
93,8013;8102,8125;9985,11677
36506 676,9781 1,182;647,758;1521,1868;5284,5565;7225,7446;799
3,8013;8102,8128;9759,11677
36506 676,10589 1,182;647,758;1521,1868;5284,5565;7225,7446;79
93,8013;8102,8128;9988,11677
36506 676,10780 1,182;647,758;1521,1868;5284,5565;7258,7446;79
93,8013;8102,8128;9988,10448;10548,10550;10553,10661;10701,10780
36507 52,34013 1,139;921,980;9636,9701;10405,10470;13278,13344
;16485,16591;17497,17623;18276,18343;19946,20004;20879,21011;21896,22009;22248,2
2414;22986,23112;27305,27428;27667,27820;28026,28185;28274,28380;29757,29943;307
89,30946;31133,31289;32125,32232;32325,32450;33933,36918
36507 52,34013 27,139;921,980;9636,9701;10405,10470;13278,1334
4;16485,16591;17497,17623;18276,18343;19946,20004;20879,21011;21896,22009;22248,
22414;22986,23112;27305,27428;27667,27820;28026,28185;28274,28380;29757,29943;30
789,30946;31133,31289;32125,32232;32325,32450;33933,36918
36507 52,34013 27,139;921,980;9636,9701;10405,10470;13278,1334
4;16485,16591;17497,17623;18276,18343;19946,20004;20879,21011;21896,22009;22986,
23092;34013,36918
36507 52,34013 27,139;921,980;9636,9701;10405,10470;13278,1334
4;16485,16591;17497,17623;18276,18343;19946,20004;20905,21011;21896,22007;34013,
36918
36507 52,34013 27,139;921,980;9636,9701;10405,10470;13278,1334
4;16485,16591;17497,17623;18276,18343;19946,20014;20879,21011;21896,22007;34013,
36918
36507 52,22008 27,139;921,980;9636,9701;10405,10470;13278,1334
4;16485,16591;17497,17623;18276,18343;19946,20014;20879,21011;21896,22009;34015,
36918
36508 164,11032 1,227;2313,2434;7912,7978;8069,8206;9034,9144;
10560,10706;10787,11560
36509 67,192361 1,149;11951,12027;15619,15706;17697,17803;2511
5,25244;25831,26034;35759,35979;53340,53525;54777,54868;80156,80287;85429,85542;

86931,87030;93914,93984;96905,97019;146003,146087;192153,192769
 36509 67,192361 5,149;11951,12027;15619,15706;17697,17803;2511
 5,25244;25831,26034;35759,35979;53340,53525;54777,54868;80156,80287;85429,85542;
 86931,87030;93914,93984;96905,97019;146003,146087;192153,192789
 36510 198,861 11,249
 36510 198,861 198,860
 36511 198,861 11,249
 36511 198,861 198,860
 36512 36952,46731 1,295;36933,37786;39873,39990;44055,44163;45
 646,45703;46702,47591
 36512 36952,46731 1,295;36933,37786;39873,39990;44055,44163;45
 646,45703;46702,47601
 36512 36952,46731 3596,3926;36933,37786;39873,39990;44055,4416
 3;45646,45703;46702,47591
 36512 36952,46731 3596,3926;36933,37786;39873,39990;44055,4416
 3;45646,45703;46702,47601
 36512 36952,40013 3596,3926;4629,4730;36933,37786;39873,40958
 36513 89,899 11,295
 36513 89,899 89,898
 36514 744,3975 1,964;3119,4561
 36514 744,3975 631,964;3119,5104
 36515 11490,68613 11404,11601;37293,37429;41444,41485;43834,43
 910;50097,50229;55613,55756;57900,57991;63125,63173;65325,65421;66730,66896;6860
 1,69163
 36515 11490,68613 11482,11601;37293,37429;41444,41485;55613,55
 756;57900,57991;63125,63173;65325,65421;66730,66896;68601,70429
 36515 6693,68613 1,47;6674,6818;11490,11601;37293,37429;41444,
 41485;43834,43910;50097,50229;55613,55756;57900,57991;63125,63173;65325,65421;66
 730,66896;68601,69163
 36515 6693,68613 1,47;6675,6818;11490,11601;37293,37429;41444,
 41485;43834,43910;50097,50229;55613,55756;57900,57991;63125,63173;65325,65421;66
 730,66896;68601,69163
 36516 219,18879 1,340;3204,3432;5186,5280;13973,14049;14814,14
 900;17592,17676;18302,19139
 36516 219,18879 158,340;3204,3432;5186,5280;13973,14049;14814,
 14900;15302,15364;17592,17676;18302,19139
 36517 767,98405 1,139;620,1282;69804,69935;77402,77436;94353,9
 4500;96578,96682;98318,99044
 36517 767,98405 48,139;620,1282;69804,69935;77402,77436;94353,
 94500;96578,96682;98318,98857
 36518 156,14459 1,247;6446,6546;11516,11674;13135,13387;14419,
 15363
 36518 156,13446 1,247;6446,6546;11516,11674;13135,13556
 36519 66,623020 1,129;490689,491384;592409,592527;612453,61257
 0;613954,614151;615066,615189;618343,618436;622969,623596
 36519 66,623020 67,129;490689,491384;592409,592527;612453,6125
 70;613954,614151;615066,615189;618343,618436;622969,623020
 36520 2689,27331 1,265;2615,2758;3236,3259;3350,3382;3774,3890
 ;7161,7292;8904,9032;10370,10456;12649,12741;13821,13862;15110,15182;15694,15732
 ;16666,16721;19527,19696;27295,27574

36520	2689, 27331	1, 265; 2615, 2758; 3236, 3259; 3350, 3382; 3774, 3890 ; 7161, 7292; 8904, 9032; 10382, 10456; 12649, 12741; 13821, 13862; 15110, 15182; 15694, 15732 ; 16666, 16721; 19527, 19696; 27295, 27574
36520	2689, 27331	18, 265; 2615, 2758; 3236, 3259; 3350, 3382; 3774, 389 0; 7161, 7292; 8904, 9032; 10382, 10456; 12649, 12741; 13821, 13862; 15110, 15182; 15694, 1573 2; 16666, 16721; 19527, 19696; 27295, 27721
36520	2689, 27331	18, 265; 2615, 2758; 3236, 3259; 3350, 3382; 3774, 389 0; 7161, 7292; 8904, 9032; 9569, 9580; 10382, 10456; 12649, 12741; 13821, 13862; 15110, 15182; 15694, 15732; 16666, 16721; 19527, 19696; 27295, 27721
36521	68, 20396	1, 148; 586, 730; 896, 1044; 15679, 15808; 18381, 18470; 19185, 19301; 20343, 20525
36522	65969, 162666	1, 245; 64528, 64605; 65866, 66013; 95918, 96665; 1 62364, 164310
36522	65969, 162666	1, 245; 65866, 66013; 95918, 96665; 162364, 164310
36522	95918, 162666	1, 245; 65866, 66013; 95918, 96665; 162364, 164310
36522	65969, 162666	43, 245; 64528, 64605; 65866, 66013; 95918, 96665; 162364, 164822
36523	65969, 162666	1, 245; 64528, 64605; 65866, 66013; 95918, 96665; 1 62364, 164310
36523	65969, 162666	1, 245; 65866, 66013; 95918, 96665; 162364, 164310
36523	95918, 162666	1, 245; 65866, 66013; 95918, 96665; 162364, 164310
36523	65969, 162666	43, 245; 64528, 64605; 65866, 66013; 95918, 96665; 162364, 164822
36524	2, 114976	1, 188; 38678, 38772; 43437, 43574; 79037, 79141; 80178 , 80269; 85175, 85316; 86553, 86702; 88863, 89022; 100897, 100993; 102046, 102099; 103702, 10 3759; 107169, 107266; 113023, 113134; 113725, 113787; 114823, 115830
36524	143, 114976	7, 188; 38678, 38772; 43437, 43574; 79037, 79141; 801 78, 80269; 85175, 85316; 86553, 86702; 88863, 89022; 100897, 100993; 102046, 102099; 103702, 103759; 107169, 107266; 113023, 113134; 113725, 113787; 114823, 115830
36525	84568, 128143	1, 117; 55259, 55356; 84559, 84701; 107326, 107460 ; 109815, 109968; 114170, 114287; 122333, 122499; 123352, 123618; 124905, 125272; 127986, 13 1223
36525	84568, 128143	48, 117; 55259, 55356; 84559, 84701; 107326, 10746 0; 109815, 109968; 114170, 114287; 118847, 119022; 123352, 123618; 124905, 125272; 127986, 1 31224
36526	158, 19348	1, 222; 3698, 3890; 5700, 5869; 7176, 7328; 8128, 8300; 8428, 8614; 10157, 10322; 15795, 15910; 19287, 19887
36527	1197, 1677	1, 74; 775, 842; 1166, 2227
36527	1197, 1677	245, 306; 775, 842; 1166, 2227
36527	1197, 1677	245, 306; 775, 854; 1166, 2227
36527	1197, 1677	280, 306; 775, 842; 1166, 1236; 1241, 1396; 1402, 2227
36528	120, 20838	1, 337; 6615, 6652; 8043, 8160; 13132, 13243; 18331, 18 384; 19689, 19724; 20667, 21122
36528	120, 20838	1, 337; 6615, 6652; 8043, 8160; 13132, 13243; 20667, 21 122
36528	120, 20838	39, 337; 6615, 6652; 8043, 8160; 13132, 13243; 20667, 2 1122
36528	120, 20838	56, 337; 6615, 6652; 8043, 8160; 13132, 13243; 18331, 1 8384; 19689, 19724; 20667, 21122
36529	108, 219139	108, 185; 23161, 23294; 32546, 32695; 78923, 78998; 8

4728,84889;115649,115752;177324,177433;191426,191523;193232,193345;202131,202236
;203585,203727;207129,207302;214466,214564;218968,219524
36529 108,219139 1,185;23161,23294;32546,32695;78923,78998;847
28,84889;115649,115752;177324,177433;191426,191523;193232,193345;202131,202236;2
03585,203727;207129,207302;214466,214564;218968,219524
36530 108,219139 108,185;23161,23294;32546,32695;78923,78998;8
4728,84889;115649,115752;177324,177433;191426,191523;193232,193345;202131,202236
;203585,203727;207129,207302;214466,214564;218968,219524
36530 108,219139 1,185;23161,23294;32546,32695;78923,78998;847
28,84889;115649,115752;177324,177433;191426,191523;193232,193345;202131,202236;2
03585,203727;207129,207302;214466,214564;218968,219524
36531 561,629997 1,724;215054,215112;223432,223519;246838,2469
23;250573,250714;256229,256363;303634,303761;305242,305397;313114,313206;389220,
389324;414613,414781;474337,474498;542436,542590;546626,546716;554934,555156;626
067,626322;629794,631094
36531 436638,629997 436639,436798;474337,474498;542436,542590;
546626,546716;554934,555156;626067,626322;629794,629997
36531 561,629997 562,724;215054,215112;223432,223519;246838,24
6923;250573,250714;256229,256363;303634,303761;305242,305397;313114,313206;38922
0,389324;414613,414781;474337,474498;542436,542590;546626,546716;554934,555156;6
26067,626322;629794,631122
36532 457,133709 1,469;2338,2564;4444,4585;5163,5213;6015,6065
;7503,7649;28710,28821;76750,76895;112544,112620;132054,132112;133268,133357;133
651,133746;135847,137359
36532 382,133709 1,469;2338,2564;4444,4585;5163,5213;6015,6065
;7503,7649;28710,28821;76750,76895;112544,112620;132054,132116;133272,133357;133
651,133746;135846,137359
36533 689,9648 1,240;462,1150;1320,1472;1570,1741;2770,2898;46
00,4745;5725,5808;9173,9317;9625,10309
36533 689,9648 405,1150;1320,1472;1570,1741;2770,2898;4600,474
5;5725,5808;9173,9317;9625,10650
36534 48494,61904 1,73;45449,45520;48406,49335;53638,53836;573
79,57429;61862,61910;63857,64374
36534 48494,61904 1,73;45449,45520;48406,49335;53638,53836;573
79,57429;61862,61910;63857,64378
36534 48494,61904 24720,24900;45449,45520;48406,49335;53638,53
836;57379,57429;61862,61910;63857,64374
36535 1,634589 1,183;186,909;634529,634533;634538,634588
36535 170164,177901 169925,170277;170710,170835;174201,174334;
174430,174547;174642,174712;174842,174917;175431,175493;175666,175735;177818,177
988
36535 170164,176823 169925,170277;170710,170835;174201,174334;
174430,174547;174642,174712;175174,175249;175431,175493;175666,175735;176740,177
055
36536 1292,10310 1,1612;4404,4569;5243,5468;9799,11857
36536 1292,10310 1,1612;4404,4569;5243,5468;9799,11858
36537 304,12077 1,438;12053,12124;12234,12306;13087,13183;1867
3,18753;18865,19006;19103,19239;22554,22647;22751,22816;23137,23232;23663,24244
36537 12259,23689 1,438;7273,7421;12052,12124;12233,12306;1867
3,18753;18865,19006;19103,19239;22554,22647;22751,22816;23137,23232;23663,24244

36537 304,23689 1,438;7274,7421;12053,12124;12234,12306;13087,13183;18673,18753;18865,19006;19103,19239;22554,22647;22751,22816;23137,23232;23663,24244

36537 304,18686 1,438;7274,7421;12053,12124;12234,12306;18673,18753;18865,19006;19103,19239;22554,22647;22751,22816;23137,23232;23663,24244

36538 1994,38044 1213,2032;31475,31686;33445,33487;34303,34425;34543,34665;34914,35009;35168,35269;35493,35654;36624,36721;36899,37034;37400,37522;37649,37750;37990,38170

36538 1994,38044 1,69;1895,2032;31475,31686;33445,33487;34303,34425;34543,34665;34914,35009;35168,35269;35493,35654;36624,36721;36899,37034;37400,37522;37649,37750;37990,38172

36538 28584,38044 28483,28661;31475,31686;33445,33487;34303,34425;34543,34665;34914,35009;35168,35269;35493,35654;36624,36721;36899,37034;37400,37522;37649,37750;37990,38172

36538 31472,38044 31472,31513;31518,31586;31591,31626;31631,31686;33445,33487;34303,34425;34543,34665;34914,35009;35168,35269;35493,35654;36624,36721;36899,37034;37400,37522;37649,37750;37990,38172

36538 1994,38044 412,441;1895,2032;31475,31686;33445,33487;34303,34425;34543,34665;34914,35009;35168,35269;35493,35654;36624,36721;36899,37034;37400,37522;37649,37750;37990,38172

36538 1994,38044 7,69;1894,2032;31475,31686;33445,33487;34303,34425;34543,34665;34914,35009;35168,35269;35493,35654;36624,36721;36899,37034;37400,37522;37649,37750;37990,38173

36539 11679,26647 1,283;11383,11732;14062,14129;14699,14799;21026,21173;21801,22006;23898,24044;25433,25691;26397,27227

36539 11679,30573 98,283;11383,11732;14062,14129;14699,14799;21026,21173;21801,22006;23898,24044;25433,25691;26397,26524;30211,31056

36540 6119,24440 1,114;6059,6194;11076,11222;16609,16740;17234,17339;18558,18724;19942,20115;21426,21527;24387,26027

36540 6119,24440 1,114;6059,6194;7841,7927;11076,11222;16609,16740;17234,17339;18558,18724;19942,20115;21426,21527;24387,26027

36540 6119,24440 252,621;6059,6194;11076,11222;16609,16740;17234,17339;18558,18724;19942,20115;21426,21527;24387,26026

36540 6119,24440 35,114;6059,6194;11076,11222;16609,16740;17234,17339;18558,18724;19942,20115;21426,21527;24387,26026

36540 6119,24440 35,114;6059,6194;7841,7927;11076,11222;16609,16740;17234,17339;18558,18724;19942,20115;21426,21527;24387,26026

36541 235,63744 1,462;1066,1371;8873,9105;14908,15209;15291,15650;26298,26447;26879,27124;28378,28578;30252,30482;39539,39682;40379,40507;41885,42028;49051,49170;49935,50168;53954,54175;54773,54942;57546,57675;58182,58353;61262,61419;62569,62692;63380,63492;63733,64426

36541 235,63744 181,462;1066,1205;26507,26514;26894,27124;28378,28578;30252,30482;39539,39682;40379,40507;41885,42028;49051,49170;49935,50168;53954,54175;54773,54942;57546,57675;58182,58353;61262,61419;62569,62692;63380,63492;63733,64426

36542 204,124952 1,248;5168,5242;25576,25709;26840,26970;29517,29726;34071,34192;50018,50123;69590,69781;74069,74266;79327,79430;114201,114337;117515,117609;120513,120644;121193,121349;124657,125464

36543 57,3717 1,117;523,555;705,839;1021,1067;3651,3877

36543 57,3717 1,117;523,555;705,839;1021,1067;3651,3883

36543 57,3717 1,117;523,555;705,839;1024,1067;3651,3883
36544 2744,23984 1,100;2480,3030;5466,5609;8944,9141;10441,105
92;11149,11315;11436,11513;12002,12170;13754,13909;15542,15673;16052,16131;17216
,17303;17697,17774;18082,18205;18785,18927;19260,19334;20735,20881;21387,21582;2
2146,22267;23751,24282
36544 2744,22526 43,100;2480,3030;5466,5609;8944,9141;10441,10
592;11149,11315;11436,11513;12002,12170;13754,13909;15542,15673;16052,16131;1721
6,17303;17697,17774;18082,18205;18785,18927;19260,19334;20735,20881;21387,21582;
22146,22267;22473,22615
36544 2744,23984 43,100;2480,3030;5466,5609;8944,9141;10441,10
592;11149,11315;11436,11513;12002,12170;13754,13909;15542,15673;16052,16131;1721
6,17303;17697,17774;18082,18205;18785,18927;19260,19334;20735,20881;21387,21582;
22146,22267;23751,24282
36545 58,8420 1,144;434,516;3721,3830;4189,4256;4339,4380;4607
,4733;5370,5494;5576,5668;6233,6333;6449,6583;6666,6728;7149,7294;7374,7453;8144
,8217;8326,8494
36545 58,8420 19,144;434,516;3721,3830;4189,4256;4339,4380;460
7,4733;5370,5494;5576,5668;6233,6333;6449,6583;6666,6728;7149,7294;7374,7453;814
4,8217;8326,8495
36546 10061,50038 1,486;8015,8184;9093,9160;9768,9898;9997,101
40;10837,10906;11195,11315;11749,11951;12360,12466;14962,15161;16446,16531;18002
,18184;19257,19431;20553,20687;22784,22919;23229,23331;24230,24425;24687,24738;2
4850,25013;25141,25353;25682,25787;26471,26618;26708,26794;26881,26949;27239,273
56;28531,28644;28866,29011;29551,29583;33799,33881;34598,34648;34834,34897;36145
,36294;50023,50037
36546 10061,50038 1,486;8015,8184;9093,9160;9768,9898;9997,101
40;10837,10906;11195,11315;11749,11951;12360,12466;14962,15161;16446,16531;18002
,18184;19257,19431;20553,20687;22784,22919;23229,23331;24230,24425;24687,24738;2
4850,25013;25141,25353;25682,25787;26471,26618;26708,26794;26881,26949;27239,273
56;28531,28644;28866,29011;33799,33881;34598,34648;34834,34897;36145,36294;50023
,50037
36546 9741,50038 248,486;8015,8184;9093,9898;9997,10140;10837,
10906;11195,11315;11749,11951;12360,12466;14962,15161;16446,16531;18002,18184;19
257,19431;20553,20687;22784,22919;23229,23331;24230,24425;24687,24738;24850,2501
3;25141,25353;25682,25787;26471,26618;26708,26794;26881,26949;27239,27356;28531,
28644;28866,29011;29551,29583;33799,33881;34598,34648;34834,34897;36145,36294;50
023,50037
36546 48130,144954 47916,48200;80011,80083;113586,113675;11711
1,117199;124718,124827;125689,125744;130981,131040;131757,131910;132093,132145;1
32356,132430;132545,132586;133097,133162;133423,133553;136156,136267;136744,1367
83;136903,136966;137393,137465;137609,137786;138024,138136;138822,138899;139771,
139893;140390,140460;140858,140980;141364,141451;141713,141760;142729,142803;142
954,143053;143328,143440;143823,143861;143998,144104;144743,146195
36546 48130,144954 47969,48200;80011,80083;113586,113675;11711
1,117199;124718,124827;125689,125744;130981,131040;131757,131910;132093,132145;1
32356,132430;132545,132586;133097,133162;133423,133553;136156,136267;136744,1367
83;136903,136966;137393,137465;137609,137786;138024,138136;138822,138899;139771,
139893;140390,140460;140858,140980;141364,141451;141713,141760;142729,142803;142
954,143053;143328,143440;143823,143861;143998,144104;144743,146195
36547 183494,265133 1,461;183484,183745;184485,184658;190106,1

90284;263444,265082;265085,265132
 36547 183494,265133 1,461;183484,183745;184485,184658;190106,1
 90284;263444,266219;281253,281370
 36547 263559,266241 238380,238442;263444,266585
 36547 263559,265861 263439,263960;264003,266067;266086,266497
 36547 263559,265861 263559,263972;264003,265838;265843,265860
 36548 35099,151516 1,196;34998,35944;81185,81383;147179,147229
 ;151499,151545;154568,155116
 36548 35099,151516 1,196;34999,35944;81185,81383;147179,147229
 ;151499,151545;154569,155116
 36549 64,3665 1,120;1375,1483;1792,1902;2604,3857
 36550 0,768043 1,451;623914,624411;629474,629815;767706,768043
 36550 20360,74790 19264,19411;20296,20372;45519,45585;57703,57
 809;66146,66267;67643,67808;68413,68556;69057,69125;70500,70651;71057,71223;7234
 1,72419;74643,75707
 36550 20360,74790 19264,19411;20297,20372;45519,45585;57703,57
 809;66146,66267;67643,67808;68413,68556;69057,69125;70500,70651;71057,71223;7234
 1,72419;74643,75707
 36550 20360,74790 19264,19411;20297,20372;45519,45585;57703,57
 809;66146,66267;67643,67808;68413,68556;69057,69125;70500,70651;71057,71223;7234
 1,72419;74643,75710
 36551 184,14482 1,268;2654,2821;3667,3783;5049,5126;5562,5684;
 8941,9050;9324,9489;12591,12673;14440,14705
 36551 184,14482 2,268;2654,2821;3667,3783;5049,5126;5562,5684;
 8941,9050;9324,9489;12591,12673;14440,14705
 36552 9409,13466 1,15;9377,10235;10878,11048;13102,16367
 36553 172,7122 1,342;1258,1377;1839,2059;3190,5118;5522,5638;6
 098,6115;6267,6404;6785,7502
 36553 172,7122 173,342;1258,1377;1839,2059;3190,5118;5522,5640
 ;6266,6404;6785,7502
 36554 252,38381 1,310;12776,12875;29430,29500;37688,37769;3824
 9,38483
 36554 252,38381 1,310;12776,12875;29430,29500;37688,37769;3824
 9,38486
 36554 252,12857 95,310;12776,12819;12822,12875;29430,29500;376
 88,37769;38249,38476
 36555 352,17247 1,497;769,812;901,964;4388,4486;6499,6547;9137
 ,9238;9362,9436;9714,9920;10071,10158;11640,11839;13231,13321;13558,13653;14979,
 15122;15220,15364;15654,15797;15892,15975;17225,17975
 36555 352,17247 1,497;769,812;901,964;4388,4486;6499,6547;9137
 ,9238;9362,9436;9717,9920;10071,10158;11640,11839;13231,13321;13558,13653;14979,
 15122;15220,15364;15654,15797;15892,15975;17225,17975
 36555 352,17247 266,497;4388,4486;6499,6547;9137,9238;9362,943
 6;9714,9920;10071,10158;11640,11839;13231,13321;13558,13653;14979,15122;15220,15
 364;15654,15797;15892,15975;17225,17975
 36555 352,17247 266,497;4388,4486;6499,6547;9137,9238;9362,943
 6;9717,9920;10071,10158;11640,11839;13231,13321;13558,13653;14979,15122;15220,15
 364;15654,15797;15892,15975;17225,17975
 36555 4389,17247 271,497;887,964;4388,4486;6499,6547;9137,9238
 ;9362,9436;9717,9920;10071,10158;11640,11839;13231,13321;13558,13653;14979,15122

;15220,15364;15654,15797;15892,15975;17225,17975
36555 4389,17247 290,497;901,964;4388,4486;6499,6547;9137,9238
;9714,9920;10071,10158;11640,11839;13231,13321;13558,13653;14979,15122;15220,153
64;15654,15797;15892,15975;17225,17975
36556 95,5228 1,154;3973,4100;5176,5505
36557 74,28575 1,144;8529,8628;16521,16591;20413,20494;28413,2
8888
36558 119,798 1,265;500,562;657,945
36558 119,798 21,265;500,562;657,953
36559 82,15560 1,209;2105,2238;8722,8947;12977,13134;13676,138
70;15441,15675
36559 82,15560 1,209;2105,2238;8722,8947;12977,13134;15441,156
75
36559 82,8918 1,209;8722,8947;12977,13134;13676,13870;15441,15
675
36560 180,10914 1,430;5773,6050;10765,11259
36560 180,10914 1,430;5773,6050;10765,11261
36561 7430,11127 1,174;7415,8403;10952,15595
36561 7430,11127 1,184;7415,8403;10952,15593
36561 7430,11127 1,184;7415,8403;10952,15595
36562 226,38446 1,475;1404,1435;8460,8534;13396,13449;18944,19
033;21346,21419;32536,32624;33198,33277;36602,36682;38347,39662
36562 226,38446 1,479;1408,1435;8460,8534;13396,13449;18944,19
033;21346,21419;32536,32624;33198,33277;36602,36682;38347,39666
36563 11400,17842 11400,11475;14140,14265;14782,14879;16079,16
178;16495,16535;17824,17932;18803,18901;19127,19529
36563 29,19256 1,224;7772,7885;10695,10829;11053,11186;11269,1
1475;11719,11759;11925,12049;14140,14265;14782,14879;16079,16178;16495,16535;172
93,17332;17824,17932;18756,18901;19128,19518
36563 29,19256 1,224;7772,7885;10695,10829;11053,11186;11269,1
1475;11719,11759;11925,12049;14140,14265;14782,14879;16079,16178;16495,16535;172
93,17332;17824,17932;18756,18901;19128,19525
36564 215,67405 123,564;24262,24373;46562,46675;50535,50668;51
099,51203;52455,52513;54876,54963;55498,55606;56761,56867;59358,59439;67345,6757
1
36564 215,67405 1,564;24262,24373;39935,39988;46562,46675;5053
5,50668;51099,51203;52455,52513;54876,54963;55498,55606;56761,56867;59358,59439;
67345,68531
36564 215,67405 1,564;24262,24373;46562,46675;50535,50668;5109
9,51203;52455,52513;54876,54963;55498,55606;56761,56867;59358,59439;67345,68531
36565 18,3742 1,213;3079,3147;3331,3441;3593,3843
36565 18,3513 1,213;3079,3147;3331,3843
36566 4055,11222 10,143;4035,4132;4233,4317;10241,10317;10641,
10719;11166,12221
36566 4055,11222 1,143;4035,4132;4233,4317;10241,10317;10641,1
0719;11166,12221
36567 55,6738 1,150;1759,1843;2548,2634;4406,4489;5751,5809;64
18,6477;6648,6967
36567 55,6441 20,150;1759,1843;2548,2634;4406,4489;5751,5809;6
321,6477;6648,6967

36567 55,6441 20,150;1759,1843;2548,2634;4406,4489;5751,5809;6
321,6477;6648,6968

36567 55,6738 20,150;1759,1843;2548,2634;4406,4489;5751,5809;6
418,6477;6648,6968

36568 62,3902 1,98;750,838;935,1002;1114,1174;1274,1330;2062,2
157;2304,2378;2537,2633;2814,2865;3405,3406;3423,3505;3618,3698;3815,4098

36568 62,3902 1,98;750,838;935,1002;1114,1174;1274,1330;2062,2
157;2304,2378;2537,2633;2814,2883;3445,3505;3618,3698;3815,4098

36569 11381,89125 11381,11494;12026,12223;80460,80561;80656,80
784;84811,84871;86774,86850;87768,87865;88076,88172;88424,88503;88609,88734;8907
3,91904

36569 154,17722 1,366;11384,11494;12026,12223;12688,12789;1290
1,13023;13320,13380;13948,14024;14572,14669;15080,15176;15345,15424;15559,15684;
17670,18008

36569 6619,17722 6619,6636;11384,11494;12026,12223;12688,12789
;12901,13023;13320,13380;13948,14024;14572,14669;15080,15176;15345,15424;15559,1
5684;17670,18008

36570 56957,77331 1,183;56906,57439;71923,72035;72170,72374;74
323,74472;74876,75009;75563,75671;77196,80049

36570 55915,77331 55762,56133;56906,56917;56923,56934;56939,57
439;71923,72035;72170,72374;74323,74472;74876,75009;75563,75671;77196,77330

36570 56957,79089 56731,57439;71923,72035;72170,72374;74323,74
472;74876,75009;75563,75671;78972,79122

36570 56957,77331 56902,57439;71923,72035;72170,72374;74323,74
472;74876,75009;75563,75671;77196,80049

36571 56957,77331 1,183;56906,57439;71923,72035;72170,72374;74
323,74472;74876,75009;75563,75671;77196,80049

36571 55915,77331 55762,56133;56906,56917;56923,56934;56939,57
439;71923,72035;72170,72374;74323,74472;74876,75009;75563,75671;77196,77330

36571 56957,79089 56731,57439;71923,72035;72170,72374;74323,74
472;74876,75009;75563,75671;78972,79122

36571 56957,77331 56902,57439;71923,72035;72170,72374;74323,74
472;74876,75009;75563,75671;77196,80049

36572 181127,368743 1,173;181002,181142;277547,277573;277822,2
77946;294127,294265;298773,298945;303641,303707;304541,304585;306713,306902;3095
87,309701;325771,325820;329350,329537;331875,333455;336218,336306;337738,337784;
341210,341324;341410,341538;344389,344589;362434,362483;366584,366690;368681,369
364

36572 294172,368743 1,173;181003,181142;277547,277573;277822,2
77946;294127,294265;298773,298945;303641,303707;304541,304585;306713,306902;3095
87,309701;325771,325820;329350,329537;331875,333455;336218,336306;337738,337784;
341210,341324;341410,341538;344389,344589;362434,362483;366584,366690;368681,369
364

36572 181084,368743 144148,144705;181002,181142;265758,265807;
277547,277573;277891,277946;294127,294265;298773,298945;303641,303707;304541,304
585;306713,306902;309587,309701;318207,318290;320958,321014;325771,325820;329350
,329537;336218,336306;337738,337784;341210,341324;341410,341538;344389,344589;36
2434,362483;366584,366690;368681,369046

36572 294172,368743 144148,144705;181003,181142;265758,265807;
277547,277572;277891,277946;294127,294265;298773,298945;303641,303707;304541,304

585;306713,306902;309587,309701;318207,318290;320958,321014;325771,325820;329350
,329537;336218,336306;337738,337784;341210,341324;341410,341538;344389,344589;36
2434,362483;366584,366690;368681,369364
36572 294172,368743 145298,145431;181003,181142;271523,271615;
277547,277573;277822,277946;294127,294265;298773,298945;303641,303707;304541,304
585;306713,306902;309587,309701;317334,317492;320958,321014;325771,325820;329350
,329537;336218,336306;337738,337784;341210,341324;341410,341538;344389,344589;36
2434,362483;366584,366690;368681,369047
36572 181084,368743 35,173;61995,62072;181002,181142;265758,26
5807;271523,271615;277547,277573;277822,277946;294127,294265;298773,298945;30364
1,303707;304541,304585;306713,306903;306915,306922;306971,307009;309587,309701;3
25771,325820;329350,329537;331875,333455;336218,336306;337738,337784;341210,3413
24;341410,341538;344389,344589;362434,362483;366584,366690;368681,369047
36573 33,4595 1,86;187,238;1550,1683;1766,1848;2567,2758;3741,
3813;3899,4061;4365,4446;4525,4696
36574 275,11518 1,905;1259,1367;2719,2856;4091,4247;7671,7766;
8092,8207;11511,11936
36575 13759,135295 1,154;13688,13978;44376,44504;45526,45657;5
1674,51831;62017,62329;65288,65420;68834,69166;71273,72249;75060,75243;77474,776
47;80685,80865;82844,82985;86667,86907;87598,87687;89432,89665;102179,102327;134
017,134158;134608,134757;135141,137212
36575 13759,135295 79,154;13688,13978;44376,44504;45526,45657;
51674,51831;62017,62329;65288,65420;68834,69166;71273,72249;75060,75243;77474,77
647;80685,80865;82844,82985;86667,86907;87598,87687;89432,89665;102179,102327;13
4017,134158;134608,134757;135141,139518
36576 255,17292 1,922;1745,1950;7465,7578;7869,8004;8236,8330;
8556,8688;8917,9001;9490,9610;9773,9847;10053,10130;10350,10454;10579,10650;1335
8,13517;13677,13832;13912,14080;14239,14385;14870,14993;15177,15245;16356,16530;
16602,16700;17003,17094;17227,17579
36576 255,17292 256,922;1745,1950;7465,7578;7869,8004;8236,833
0;8556,8688;8917,9001;9490,9610;9773,9847;10053,10130;10350,10454;10579,10650;13
358,13517;13677,13832;13912,14080;14239,14385;14870,14993;15177,15245;16356,1653
0;16602,16700;17003,17094;17227,17559
36576 255,16631 256,922;1745,1950;7465,7578;7869,8004;8236,833
0;8556,8688;8917,9001;9490,9610;9773,9847;10053,10130;10350,10454;10579,10650;13
358,13517;13677,13832;13912,14080;14239,14385;14870,14993;15177,15245;16356,1663
1
36576 255,16631 256,922;1745,1950;7465,7578;7869,8004;8236,833
0;8556,8688;8917,9001;9490,9610;9773,9847;10053,10130;10350,10454;10579,10650;13
358,13517;13677,13832;13912,14080;14239,14385;14870,14993;15177,15245;16356,1670
0;17003,17094;17227,17559
36577 25674,67097 1,173;25667,25788;30265,30411;31158,31199;37
502,37602;40218,40360;45311,45493;47544,47694;66953,68876
36577 25674,67097 1,173;25667,25788;30265,30411;31158,31199;37
502,37602;40218,40360;45311,45493;47544,47694;66953,68883
36577 25674,67097 1,173;25667,25788;30265,30411;37502,37602;40
218,40360;45311,45493;47544,47694;66953,68876
36577 25674,67097 1,173;25667,25788;30265,30411;37502,37602;40
218,40360;45311,45493;47544,47694;66953,68883
36578 73,42599 1,121;15287,15405;16593,16679;27059,27202;42452

,42883
36578 73,42599 56,121;15287,15405;16593,16679;27059,27202;4245
2,42771
36578 6241,42599 6178,6247;15287,15405;16593,16679;27059,27202
;42452,42883
36579 747,2153 1,451;729,796;1786,2466
36579 747,2153 161,451;729,796;1786,2470
36579 747,2153 407,624;729,796;1786,2470
36579 747,2153 407,796;1786,2470
36580 9273,10059 1,71;9061,10400
36580 9273,10059 3,71;9061,10404
36581 31271,54266 1,26;1927,2015;5600,5704;30934,31789;40064,4
0159;46611,46844;50206,50371;51166,51261;53682,54913
36582 7118,69998 1,204;7097,7338;9992,10049;10609,10695;11523,
11759;16228,16307;17330,17474;27143,27301;28706,28821;35940,36063;38243,38323;39
823,39912;41365,41471;47940,48093;54507,54584;57912,58073;60364,60450;62349,6250
4;64140,64205;69908,71317
36582 7118,69998 3,204;7097,7338;9992,10049;10609,10695;11523,
11759;16228,16307;17330,17474;27143,27301;28706,28821;35940,36063;38243,38323;39
823,39912;41365,41471;47940,48093;54507,54584;57912,58073;60364,60450;62349,6250
4;64140,64205;69908,71317
36583 1856,51399 1,212;1822,1928;3934,4008;4119,4236;5443,5566
;5877,6143;6749,6829;6961,7086;7908,7961;8262,8288;8828,8863;9879,9905;10895,109
57;11241,11282;11407,11451;11540,11575;11982,12045;12411,12451;12537,12632;12823
,12861;13476,13520;13656,13682;14198,14308;14964,14999;15078,15188;15547,15582;1
7770,17805;17914,17958;18279,18410;19193,19228;19419,19526;19818,19940;20046,200
99;20301,20342;20680,20715;20802,20855;21047,21115;22982,23026;23118,23144;23948
,24007;24198,24245;24364,24417;28738,28791;29010,29042;31209,31325;31412,31453;3
1547,31633;32390,32434;33403,33447;35194,35247;35831,35884;36421,36474;37968,380
12;38114,38167;38431,38466;38815,38877;41391,41462;41662,41715;42345,42389;42591
,42635;42930,42983;43411,43464;45085,45135;45472,45561;46981,47016;47605,47649;4
8547,48735;49191,49257;50006,50182;50373,50450;51196,51802
36583 1856,51399 1,212;1822,1928;3934,4008;4119,4236;5443,5566
;5877,6143;6749,6829;6961,7086;7908,7961;8262,8288;8828,8880;10814,10823;10895,1
0957;11241,11282;11407,11451;11540,11575;11982,12044;12407,12451;12537,12632;128
23,12861;13476,13520;13656,13682;14198,14308;14964,14999;15078,15192;15303,15329
;17682,17683;17770,17805;17914,17958;18279,18410;19193,19228;19419,19526;19818,1
9940;20046,20099;20301,20342;20680,20715;20802,20855;21047,21115;22982,23026;231
18,23144;23948,24007;24198,24245;24364,24417;28738,28791;31113,31148;31209,31325
;31412,31453;31547,31633;32390,32434;33403,33447;35194,35247;35831,35884;36421,3
6474;37968,38012;38114,38167;38431,38466;38815,38877;41391,41462;41662,41715;423
45,42389;42591,42635;42930,42983;43411,43464;45085,45135;45472,45561;46981,47016
;47605,47649;48547,48735;49191,49257;50006,50182;50373,50450;51196,51802
36584 26542,46005 1,192;26542,26760;27713,27770;29670,29771;33
215,33379;34005,34082;34391,34465;38679,38771;42755,42895;44605,44773;45431,4824
3
36584 26542,46005 1,192;26542,26760;27713,27770;29670,29771;33
215,33379;34005,34082;34391,34465;38679,38771;42755,42895;44605,44773;45431,4824
5
36584 26542,46005 19667,19725;26542,26760;27713,27770;29670,29

771;33215,33379;34005,34082;34391,34465;38679,38771;42755,42895;44605,44773;4543
1,48243
36584 26542,46005 19667,19725;26542,26760;27713,27770;29670,29
771;33215,33379;34005,34082;34391,34465;38679,38771;42755,42895;44605,44773;4543
1,48245
36585 91371,93354 1,391;90996,93587
36585 91371,93354 9,103,597,776
36586 340,8306 1,723;1466,1613;2407,2553;2738,2823;5018,5274;7
096,8514
36586 340,8306 1,723;1466,1613;2407,2553;2738,2823;5018,5274;7
096,8516
36587 145,120556 1,176;55413,55485;73614,73690;82841,82961;855
85,85698;104853,105030;120545,123656
36587 43746,120556 43745,43780;55413,55485;73614,73690;82841,8
2961;85585,85698;104853,105030;120545,123656
36588 684,993 1,485;680,2847
36589 684,993 1,485;680,2847
36590 215,124618 1,579;43957,44075;54879,55026;58856,58988;649
08,65024;68783,68897;78324,78470;90730,90847;94365,94531;107148,107321;110497,11
0670;113174,113309;116040,116112;117087,117255;118871,119199;120229,120361;12136
4,121438;123517,123666;124409,125252
36590 215,124618 1,579;43957,44075;54879,55026;58856,58988;649
08,65024;68783,68897;78324,78470;90730,90847;94365,94633;107148,107321;110497,11
0670;113174,113309;116040,116112;117087,117255;118871,119199;120229,120361;12136
4,121438;123517,123666;124409,125247
36590 215,124618 1,579;43957,44075;54879,55026;58856,58988;649
08,65024;68783,68897;78324,78470;90730,90847;94365,94633;107148,107321;110497,11
0670;113174,113309;116040,116112;117087,117255;118871,119199;120229,120361;12136
4,121438;123517,123666;124409,125252
36591 2229,12440 1,146;2197,2311;4088,4219;6765,6839;6926,7064
;8221,8347;8442,8517;9210,9322;10228,10306;10403,10490;12132,12249;12357,12630
36592 50,50416 1,170;10861,10956;14241,14327;14786,14938;20050
,20148;25146,25238;27521,27653;32514,32596;35314,35417;39280,39449;50298,50891
36592 50,39472 1,170;10861,10956;14241,14327;14786,14938;20050
,20148;25146,25238;27521,27653;32514,32596;35314,35417;39280,41344
36592 50,39472 9,170;10861,10956;14241,14327;14786,14938;20050
,20148;25146,25238;27521,27653;32514,32596;35314,35417;39280,40628;40637,41350
36593 1576,30592 1,243;1563,1729;14358,14535;14644,14699;14832
,14908;17842,17934;19523,19656;21516,21694;23825,23971;24061,24096;24325,24463;2
6295,26436;26698,26771;28469,28592;30445,31150
36593 1576,30592 1,243;1563,1729;14358,14535;14644,14699;14832
,14908;17842,17934;19523,19656;21516,21694;23825,23971;24061,24096;24325,24463;2
6295,26436;26698,26771;28469,28592;30445,31152
36594 233,247383 1,285;118832,118927;173131,173243;189011,1890
88;215482,215582;217309,217401;222691,222754;223703,223843;228967,229157;232047,
232084;234315,234404;235860,236068;240439,240576;244987,245124;245461,245592;247
285,247934
36594 233,247383 28,285;118832,118927;173131,173243;189011,189
088;215482,215582;217309,217401;222691,222754;223703,223843;228967,229157;232047
,232084;234315,234404;235860,236068;240439,240576;244987,245124;245461,245592;24

7285,247939

36594 95,247383 28,285;118832,118927;173131,173243;189011,189088;215482,215582;217309,217401;222691,222754;223703,223843;228967,229157;232047,232084;234315,234404;235860,236068;240439,240576;244987,245124;245461,245592;247285,247939

36595 233,247383 1,285;118832,118927;173131,173243;189011,189088;215482,215582;217309,217401;222691,222754;223703,223843;228967,229157;232047,232084;234315,234404;235860,236068;240439,240576;244987,245124;245461,245592;247285,247934

36595 233,247383 28,285;118832,118927;173131,173243;189011,189088;215482,215582;217309,217401;222691,222754;223703,223843;228967,229157;232047,232084;234315,234404;235860,236068;240439,240576;244987,245124;245461,245592;247285,247939

36595 95,247383 28,285;118832,118927;173131,173243;189011,189088;215482,215582;217309,217401;222691,222754;223703,223843;228967,229157;232047,232084;234315,234404;235860,236068;240439,240576;244987,245124;245461,245592;247285,247939

36596 609,8409 1,626;4801,5079;5353,5493;5595,6317;6669,6758;7974,9231

36596 609,8409 1,626;5353,5493;5595,6317;6669,6758;7974,9231

36597 33,10474 1,916;3146,3345;5494,5618;8620,11057

36597 33,10474 34,916;3146,3345;5494,5618;8620,11161

36597 9226,10474 9227,9645;9732,9735;9836,10474

36598 2884,5818 1,75;2852,2953;3663,3740;3823,3972;5723,6128

36598 2884,5818 1,75;2852,2965;3663,3740;3823,3972;5723,6128

36598 2884,5818 1,75;2852,2977;3663,3740;3823,3972;5723,6126

36598 2884,5818 1,75;2852,2977;3663,3740;3823,3972;5723,6128

36599 47,6768 1,83;357,432;857,921;1222,1303;1403,1503;3219,3314;3405,3515;6679,7215

36599 47,6768 1,83;357,432;857,921;1222,1303;1403,1503;3219,3314;3405,3515;6679,7217

36600 68,65689 1,645;49614,49717;65504,71528

36601 68,65689 1,645;49614,49717;65504,71528

36602 7231,56870 1,155;7223,7436;47553,47678;56764,59718

36602 7231,56870 1291,1341;1959,2025;7223,7436;47553,47678;56764,59670

36602 7231,56870 1594,2025;7223,7436;47553,47678;56764,59718

36602 7231,56870 7231,7365;7370,7377;47553,47678;56764,59718

36603 23,12116 1,203;2134,2326;5729,5836;11992,13521

36604 23,12116 1,203;2134,2326;5729,5836;11992,13521

36605 76,32027 1,108;11362,11460;12004,12164;21878,22002;27675,27827;29423,29548;29625,29812;29950,30060;30683,30784;31106,31181;31588,31715;31823,32664

36606 76,32027 1,108;11362,11460;12004,12164;21878,22002;27675,27827;29423,29548;29625,29812;29950,30060;30683,30784;31106,31181;31588,31715;31823,32664

36607 24831,25242 1,114;6679,6828;13007,13123;17980,18084;19563,19661;22985,23151;24449,26086

36607 102,23974 20,114;6679,6828;13007,13123;17980,18084;19563,19661;22985,26086

36607	102, 23974	22, 114; 6679, 6828; 13007, 13123; 17980, 18084; 19563, 19661; 22985, 26086
36608	1, 36385	1, 17; 6033, 6091; 6238, 6392; 6904, 7013; 11871, 12062; 12241, 12488; 12565, 12667; 13069, 13143; 13240, 13362; 14201, 14365; 15056, 15205; 15320, 15439; 16366, 16497; 16582, 16707; 17368, 17493; 17988, 18230; 18695, 18820; 18909, 19028; 19901, 20032; 20240, 20365; 20752, 20874; 21151, 21282; 23725, 23856; 23936, 24024; 24036, 24060; 26182, 26328; 29236, 29502; 29785, 29856; 30439, 30567; 30771, 30917; 32692, 32844; 33810, 34190; 34540, 34692; 36231, 36652
36608	20777, 26309	16582, 16707; 17368, 17493; 18695, 18820; 18909, 19028; 19901, 20032; 20240, 20365; 20752, 20874; 21151, 21282; 23936, 24024; 24027, 24060; 26182, 26328; 29236, 29502; 29785, 29856; 30439, 30567; 30771, 30917; 32692, 32844; 33810, 34190; 34540, 34692; 36231, 36652
36608	1, 36385	2, 17; 6033, 6091; 6238, 6392; 6904, 7013; 11871, 12062; 12241, 12488; 12565, 12667; 13069, 13143; 13240, 13362; 14201, 14365; 15056, 15205; 15320, 15439; 16366, 16497; 16582, 16707; 17368, 17493; 17988, 18230; 18695, 18818; 18907, 19028; 19901, 20032; 20240, 20365; 20752, 20874; 21151, 21282; 23725, 23856; 23936, 24060; 26182, 26328; 29236, 29502; 29785, 29856; 30439, 30567; 30771, 30917; 32692, 32844; 33810, 34190; 34540, 34692; 36231, 36652
36608	4133, 12016	4134, 4216; 6033, 6091; 6257, 6392; 6904, 7013; 11871, 12016
36608	18777, 34568	8228, 8472; 11870, 12062; 12241, 12488; 12565, 12667; 13069, 13143; 13240, 13362; 14201, 14365; 15056, 15205; 15320, 15439; 16366, 16497; 16582, 16707; 17368, 17493; 17988, 18230; 18695, 18820; 18909, 19028; 19901, 20032; 20240, 20365; 20752, 20874; 21151, 21282; 26182, 26328; 29236, 29502; 29785, 29856; 30439, 30567; 30771, 30917; 32692, 32844; 33810, 34190; 34540, 34692; 36231, 36466
36609	1845, 8548	1, 161; 1840, 2016; 5435, 5616; 7996, 10477; 10991, 11121
36609	1845, 8548	1, 161; 1840, 2016; 5435, 5616; 7996, 8689
36610	3387, 9515	1, 47; 143, 227; 2653, 2863; 3318, 3584; 4701, 4809; 6467, 6725; 8923, 9021; 9331, 10088
36610	3387, 9515	1510, 2863; 3318, 3584; 4701, 4809; 6467, 6725; 8923, 9021; 9331, 9718
36610	3387, 9515	2604, 2863; 3318, 3584; 4701, 4809; 6467, 6725; 8923, 9021; 9331, 10088
36610	6487, 9515	2604, 2863; 3318, 3584; 4701, 4809; 6467, 6725; 8923, 9021; 9331, 10088
36610	6487, 9515	2651, 2863; 3318, 3584; 6467, 6725; 8923, 9021; 9331, 10088
36611	166, 110304	1, 818; 99741, 99885; 103110, 103560; 104501, 104644; 107964, 108192; 110084, 112667
36612	4709, 61646	125, 404; 4640, 5129; 54905, 55057; 58845, 58978; 59405, 59513; 61506, 62700
36612	4709, 61646	1, 404; 4640, 5129; 38879, 39006; 51534, 51732; 54905, 55057; 58845, 58978; 59405, 59513; 61506, 63981
36612	4862, 51599	4706, 5129; 51534, 51732; 54905, 55057; 58845, 58978; 59405, 59513; 61506, 61666
36612	4709, 61646	6, 404; 4640, 5129; 38879, 39006; 51534, 51732; 54905, 55057; 58845, 58978; 59405, 59513; 61506, 63981
36613	4709, 61646	125, 404; 4640, 5129; 54905, 55057; 58845, 58978; 59405, 59513; 61506, 62700

36613 4709,61646 1,404;4640,5129;38879,39006;51534,51732;54905,55057;58845,58978;59405,59513;61506,63981
36613 4862,51599 4706,5129;51534,51732;54905,55057;58845,58978;59405,59513;61506,61666
36613 4709,61646 6,404;4640,5129;38879,39006;51534,51732;54905,55057;58845,58978;59405,59513;61506,63981
36614 1827,12021 1,125;1818,2157;9218,9294;10107,10311;11743,13071
36614 1827,12021 1,240;1818,2157;9218,9294;10107,10311;11743,13071
36615 52,3260 1,131;3088,3568
36615 52,3260 1,131;3088,3571
36616 20545,65496 1,279;416,531;20461,21477;25028,25128;25743,25897;26215,26335;29686,29797;29944,30023;30406,30469;32473,32619;33277,33310;34296,34491;35556,35678;40330,40497;41051,41162;42769,42911;44203,44391;45923,46016;46185,46279;46750,46930;47714,47821;48784,48876;50026,50155;51276,51412;55739,55908;56398,56554;56922,57031;57946,58147;58554,58678;60309,60426;62127,62208;62593,62699;64606,64734;65307,67705
36616 20545,65496 1,279;416,531;20461,21477;25028,25128;25743,25897;26215,26335;29686,29797;29944,30023;30406,30469;32473,32619;33277,33310;34296,34491;35556,35678;40330,40497;41051,41162;42769,42911;44203,44391;45923,46016;46185,46279;46750,46930;47714,47821;48784,48876;50026,50155;51276,51412;55739,55908;56398,56554;56922,57031;57946,58147;58554,58678;60309,60426;62127,62208;62593,62699;64606,64734;65307,67711
36617 1,918960 1,455;677656,677847;700088,700124;708362,708435;712980,713029;854652,854764;900158,900251;901619,901791;902721,902819;903704,903868;905031,905130;916278,916432;917151,917273;917784,917966;918543,919060
36617 307249,918960 307175,307295;677656,677847;700088,700124;708362,708435;712980,713029;854652,854764;900158,900251;901619,901791;902721,902819;903704,903868;905031,905130;916278,916432;917151,917273;917784,917966;918543,922739
36617 677657,918960 618222,618286;677656,677847;700088,700124;708362,708435;712980,713029;854652,854764;900158,900251;901619,901791;902721,902819;903704,903868;905031,905130;916278,916432;917151,917273;917784,917966;918543,919062
36617 674575,918960 674575,674594;677656,677847;700088,700124;708362,708435;712980,713029;854652,854764;900158,900251;901619,901791;902721,902819;903704,903868;905031,905130;916278,916432;917151,917273;917784,917966;918543,918960
36617 677657,918960 677645,677847;700088,700124;708362,708435;712980,713029;854652,854764;900158,900251;901619,901791;902721,902819;903704,903868;905031,905130;916278,916432;917151,917273;917784,917966;918543,922739
36617 893925,918960 893888,894134;900158,900251;901619,901791;902721,902819;903704,903868;905031,905130;916278,916432;917151,917273;917784,917966;918543,919062
36618 744,150237 1,496;701,2436;108628,108818;122676,122780;123823,124040;127090,127192;132746,132954;136911,137070;138556,138704;141476,141517;149220,150105;150111,150236
36618 744,150412 1,496;701,2436;108628,108818;122676,122780;123823,124040;127090,127192;132746,132954;136911,137070;138556,138704;141476,141517

7;149220,153530

36618 744,150412 1,496;701,2436;108628,108818;122676,122780;12
3823,124040;127090,127192;132746,132954;136911,137070;138556,138704;141476,14151
7;149220,153534

36619 462,2861 1,526;604,724;850,964;1224,2161;2259,2427;2510,
2608;2697,3071

36619 462,2861 462,526;604,724;850,964;2176,2177;2259,2427;251
0,2608;2697,3071

36620 189,1053 1,284;610,722;980,1203;1401,2084;2172,2348;2429
,3387

36620 189,2553 1,336;610,722;980,1203;1401,2084;2172,2348;2429
,3387

36621 106,12857 1,222;7313,7426;7863,7956;10763,10947;12728,13
346

36621 106,12857 1,222;7313,7426;7863,7956;10763,10947;12728,13
348

36622 106,12857 1,222;7313,7426;7863,7956;10763,10947;12728,13
346

36622 106,12857 1,222;7313,7426;7863,7956;10763,10947;12728,13
348

36623 2662,62458 1,314;993,1090;1440,1648;2450,2697;2836,3396;
11370,11457;14578,14702;19762,19923;22211,22348;24744,24806;32514,32654;33198,33
246;35178,35234;38632,38688;45267,45326;50605,50747;54250,54412;54759,54888;5548
4,55537;56962,57152;58555,58685;59781,59955;62378,66488

36623 2599,62458 1,314;993,1090;1440,1648;2450,2697;2836,3396;
11370,11457;14578,14702;19762,19923;22211,22348;24744,24806;32514,32654;33198,33
246;38632,38688;45267,45326;50605,50747;54250,54412;54759,54888;55484,55537;5696
2,57152;58555,58685;59781,59955;62378,66488

36623 2662,62458 1,314;993,1090;1440,1648;2450,2697;2836,3396;
11370,11457;14578,14702;19762,19923;22211,22348;24744,24806;32514,32654;33198,33
246;38632,38688;45267,45326;50605,50747;54250,54412;54759,54888;55484,55537;5696
2,57152;58555,58685;59781,59955;62378,66488

36624 9,13389 10,50;1339,1348;1353,1382;1388,1609;3062,3248;40
88,4176;5352,5493;7069,7176;9665,10018;13259,13389

36624 1393,15839 1,50;1339,1609;3062,3248;4088,4176;5349,5493;
7069,7176;9665,10018;13259,13371;15696,19434

36625 0,894593 1,679;894115,894593

36625 507818,602535 505832,505992;507720,507866;531814,532057;
577213,577330;579446,579578;583038,583088;588417,588562;590703,590826;592023,592
137;594032,594180;594354,594455;596193,596361;597235,597335;597641,597799;600685
,600803;602307,603385

36625 531837,602535 505955,505992;507720,507866;513089,513129;
531814,532057;577213,577330;579446,579578;583038,583088;588417,588562;590703,590
826;592023,592137;594032,594180;594354,594455;596193,596361;597235,597335;597641
,597799;600685,600803;602307,603385

36625 522298,602535 522220,522331;531814,532057;577213,577330;
579446,579578;583038,583088;588417,588562;590703,590826;592023,592137;594032,594
180;594354,594455;596193,596361;597235,597335;597641,597799;600685,600803;602307
,603385

36625 522298,602535 522299,522331;531814,532057;577213,577330;

579446,579578;583038,583088;588417,588562;590703,590826;592023,592137;594032,594180;594354,594455;596193,596361;597235,597335;597641,597799;600685,600803;602307,603385

36625 525405,602535 525300,525447;531814,532057;577213,577330;
579446,579578;583038,583088;588417,588562;590703,590826;592023,592137;594032,594180;594354,594455;596193,596361;597235,597335;597641,597799;600685,600803;602307,603385

36625 525405,602535 525300,525447;531814,532057;577213,577330;
579446,579578;583038,583088;588417,588562;590703,590826;592023,592137;594032,594216;594354,594455;596193,596361;597235,597335;597641,597799;600685,600803;602307,603385

36625 525417,602535 525300,525447;531814,532057;577213,577330;
579446,579578;583038,583088;588417,588562;590703,590826;592023,592137;594032,594216;594354,594455;596193,596361;597235,597335;597641,597799;600685,600803;602307,603385

36625 526114,602535 526041,526189;531814,532057;577213,577330;
579446,579578;583038,583088;588417,588562;590703,590826;592023,592137;594032,594180;594354,594455;596193,596361;597235,597335;597641,597799;600685,600803;602307,603385

36625 562374,602535 562227,562759;565458,565645;566132,566282;
577213,577330;579446,579578;583038,583088;588417,588562;590703,590826;592023,592137;594032,594216;594354,594455;596193,596361;597235,597335;597641,597799;600685,600803;602307,603385

36625 562374,602535 562227,562759;565458,565648;566132,566282;
577213,577330;579446,579578;583038,583088;588417,588562;590703,590826;592023,592137;594032,594216;594354,594455;596193,596361;597235,597335;597641,597799;600685,600803;602307,603385

36626 463,1889 1,477;1115,1201;1324,1408;1836,1948

36627 105,35309 1,127;3758,3869;5369,5453;7327,7506;11421,11516;14546,14629;18941,19074;22196,22337;25450,25522;29606,29713;31824,31879;35160,35621

36627 3771,35309 55,127;3758,3869;5369,5453;7327,7506;11421,11516;14546,14629;18941,19074;22196,22337;25450,25522;29606,29713;31824,31879;35160,35619

36627 57,31951 56,127;3758,3869;5369,5453;7327,7506;11421,11516;14546,14629;18941,19074;22196,22337;25450,25522;29606,29713;31824,35863

36627 14548,35309 8932,9007;14546,14629;18941,19074;22196,22337;25450,25522;29606,29713;31824,31879;35160,36707

36628 285,10039 1,402;2424,2566;3277,3488;9768,12887

36629 1,2911 1,86;360,654;1365,1526;1959,2084;2171,2257;2803,3189

36629 367,2911 45,86;360,654;1365,1517;1950,2084;2171,2257;2803,3189

36630 52,18095 1,155;4270,4724;8907,9032;9614,9778;11458,11623;13299,13469;15510,15616;16222,16347;17988,18099;20055,20514

36631 1,17092 1,36;219,273;5983,6177;6548,6631;7060,7116;7257,7354;10765,10842;10924,11001;11514,11566;11909,11971;12987,13101;13271,13355;13456,13515;13792,13857;16156,16266;16737,16843;16948,17133

36631 261,17092 7,36;219,273;5983,6177;6548,6631;7060,7116;7257,7354;10765,10842;10924,11001;11514,11566;11909,11971;12987,13101;13271,13355;1

3456, 13515; 13792, 13875; 16186, 16266; 16737, 16843; 16948, 17133
 36632 41, 895651 1, 416; 489, 592; 3698, 3855; 7159, 7327; 8636, 8854; 19
 313, 19527; 22572, 22680; 22848, 23051; 895606, 895651
 36632 41, 821200 42, 416; 489, 592; 3698, 3855; 7159, 7327; 8636, 8759; 9
 628, 9743; 19313, 19527; 22572, 22680; 22848, 23051; 821191, 821200
 36632 676946, 677555 676, 567, 677, 797
 36633 1027, 9137 1, 321; 735, 1226; 2005, 2201; 3095, 3196; 3359, 3451; 3
 588, 3718; 5615, 5674; 5774, 5882; 6729, 6782; 6852, 6902; 7042, 7161; 8058, 8185; 8438, 8539; 8
 990, 9766
 36633 1027, 9137 1, 321; 764, 1226; 2005, 2201; 3095, 3196; 3359, 3451; 3
 588, 3718; 5615, 5674; 5774, 5882; 6729, 6782; 6852, 6902; 7042, 7161; 8058, 8185; 8438, 8539; 8
 990, 9768
 36634 117301, 125118 117183, 117440; 122133, 122305; 122911, 123003;
 123542, 123672; 124800, 126278
 36634 3, 127540 1, 82; 55400, 55464; 127067, 127539
 36635 30, 56022 1, 72; 186, 197; 10963, 11091; 16905, 17061; 17437, 1752
 2; 19670, 19717; 45125, 45200; 54979, 55037; 55939, 56140
 36636 69, 7998 1, 144; 1735, 1846; 7910, 8878
 36636 69, 7998 1, 144; 1735, 1846; 7910, 8881
 36637 388, 111449 1, 881; 8627, 8697; 26214, 26478; 56639, 56829; 59270
 , 59440; 59939, 60145; 60982, 61268; 62367, 62469; 76332, 76406; 79784, 79906; 83210, 83374; 8
 3634, 83849; 84966, 84985; 86218, 86257; 87107, 87208; 89414, 89542; 90293, 90421; 95391, 955
 10; 100968, 101087; 102119, 102241; 102473, 102598; 102969, 103094; 103380, 103502; 103603,
 103728; 104237, 104359; 105022, 105153; 105509, 105634; 106141, 106284; 107158, 107349; 107
 471, 107554; 108278, 108406; 108726, 108863; 108946, 109113; 109398, 109679; 110742, 110891
 ; 111303, 111448
 36638 69, 70669 1, 177; 26326, 26448; 27808, 27965; 32770, 32842; 37211
 , 37409; 52715, 52877; 55310, 55521; 56444, 56470; 57204, 57392; 67435, 67478; 70652, 70935
 36638 69, 70669 1, 177; 26326, 26448; 27808, 27965; 32770, 32842; 37211
 , 37409; 52715, 52877; 55310, 55521; 56444, 56470; 57204, 57392; 67435, 67478; 70652, 70937
 36639 365, 29368 1, 534; 1533, 1609; 3617, 3659; 4476, 4512; 5282, 5383;
 10324, 10458; 10870, 10941; 13855, 14028; 20368, 20466; 22419, 22481; 22578, 22676; 23875, 24
 005; 28857, 28968; 29227, 31134
 36639 365, 29368 1, 534; 1533, 1609; 3617, 3659; 4476, 4512; 5282, 5383;
 7472, 7591; 10324, 10458; 10870, 10941; 13855, 14028; 20368, 20466; 22419, 22481; 22578, 2267
 6; 23875, 24005; 28857, 28968; 29227, 31134
 36640 128, 8415 1, 260; 1894, 2000; 3094, 3243; 3549, 3752; 6838, 7033; 7
 480, 7692; 8221, 9131
 36640 128, 8415 54, 260; 1894, 2000; 3549, 3752; 6838, 7033; 7480, 7692;
 8221, 9131
 36640 128, 8415 57, 260; 1894, 2000; 3094, 3243; 3549, 3752; 6838, 6930;
 6936, 7019; 7179, 7185; 7480, 7559; 7565, 7585; 7590, 7692; 8221, 9131
 36640 128, 8415 57, 260; 1894, 2000; 3094, 3243; 3549, 3752; 6838, 7033;
 7480, 7692; 8221, 9131
 36641 98, 72172 1, 255; 3962, 4053; 14141, 14263; 25718, 25930; 27188, 2
 7331; 29617, 29838; 31137, 31302; 33750, 33927; 35745, 35844; 36469, 36683; 39892, 40042; 419
 76, 42188; 43370, 46190; 49804, 49978; 55462, 55698; 56666, 56876; 58390, 58569; 60467, 60583
 ; 61576, 61647; 62580, 62683; 63132, 63287; 65820, 65964; 67921, 68072; 70858, 71040; 72025, 7
 2313
 36641 98, 72172 1, 255; 3962, 4053; 14141, 14263; 25718, 25930; 27188, 2

7331;29617,29840;31148,31302;33750,33927;35745,35844;36469,36683;39892,40042;419
76,42188;43370,46190;49804,49978;55462,55698;56666,56876;58390,58569;60467,60583
;61576,61647;62580,62683;63132,63287;65820,65964;67921,68072;70858,71040;72025,7
2313

36641 98,65967 98,255;3962,4053;14141,14263;25718,25930;27188,
27331;29617,29840;29846,29857;31148,31302;33750,33927;35745,35844;36469,36683;39
892,40042;41976,42188;43370,46190;49804,49978;55462,55698;56666,56876;58390,5856
9;60467,60583;61576,61647;62580,62683;63132,63287;65820,65966

36642 98,72172 1,255;3962,4053;14141,14263;25718,25930;27188,2
7331;29617,29838;31137,31302;33750,33927;35745,35844;36469,36683;39892,40042;419
76,42188;43370,46190;49804,49978;55462,55698;56666,56876;58390,58569;60467,60583
;61576,61647;62580,62683;63132,63287;65820,65964;67921,68072;70858,71040;72025,7
2313

36642 98,72172 1,255;3962,4053;14141,14263;25718,25930;27188,2
7331;29617,29840;31148,31302;33750,33927;35745,35844;36469,36683;39892,40042;419
76,42188;43370,46190;49804,49978;55462,55698;56666,56876;58390,58569;60467,60583
;61576,61647;62580,62683;63132,63287;65820,65964;67921,68072;70858,71040;72025,7
2313

36642 98,65967 98,255;3962,4053;14141,14263;25718,25930;27188,
27331;29617,29840;29846,29857;31148,31302;33750,33927;35745,35844;36469,36683;39
892,40042;41976,42188;43370,46190;49804,49978;55462,55698;56666,56876;58390,5856
9;60467,60583;61576,61647;62580,62683;63132,63287;65820,65966

36643 23732,39141 1,263;17815,17989;23701,23948;29600,29741;32
476,32588;36285,36386;36708,36847;38928,44977

36643 23732,39141 5,263;17815,17989;23701,23948;29600,29741;32
476,32588;36285,36386;36708,36847;38928,44977

36644 24568,202361 1,221;24455,24628;88628,88812;127349,127486
;151140,151323;156126,156294;158293,158440;163955,164144;165869,166206;166635,16
6787;169391,169531;169705,169863;173557,173856;177316,177436;187969,188010;19032
0,190427;202242,203669

36644 75230,202361 75230,75239;88580,88812;127349,127486;15114
0,151323;156126,156294;158293,158440;163955,164144;165872,166206;166635,166787;1
69391,169531;169705,169863;173557,173856;177316,177436;187969,188010;190320,1904
27;202242,203669

36645 3587,8392 1,4084;5249,5331;5450,5606;6149,6310;6404,6529
;6722,6942;7740,7765;8294,8668

36645 3587,8392 3526,4084;5249,5331;5450,5606;6149,6310;6404,6
529;6722,6942;7740,7765;8294,8668

36646 4277,82890 11,255;4270,4395;5414,5570;5786,5905;7078,716
0;7857,7974;12803,12950;15410,15497;15773,15833;19175,19270;22041,22163;22620,22
711;23713,23811;25396,25522;28143,28216;28573,28767;30641,30727;33462,33545;3469
8,34842;36896,37016;40243,40334;41811,41888;42862,42983;43407,43509;43755,43838;
46145,46319;48625,48737;50385,50480;51366,51542;52735,52840;64570,64695;70207,70
350;71024,71176;82807,83353

36646 4277,82890 11,82;4270,4395;5414,5570;5786,5905;7078,7160
;7857,7974;12803,12950;15410,15497;15773,15833;19175,19270;22041,22163;22620,227
11;23713,23811;25396,25522;28143,28216;28573,28767;30641,30727;33462,33545;34698
,34842;36896,37016;40243,40334;41811,41888;42862,42983;43407,43509;43755,43838;4
6145,46319;48625,48737;50385,50480;51366,51542;52735,52840;64570,64695;70207,703
50;71024,71176;82807,83353

36646 4277,82890 1,85;4269,4395;5414,5570;5786,5905;7078,7160;
7857,7974;12803,12950;15410,15497;15773,15833;19175,19270;22041,22163;22620,2271
1;23713,23811;25396,25522;28143,28216;28573,28767;30641,30727;33462,33545;34698,
34842;36896,37016;40243,40334;41811,41888;42862,42983;43407,43509;43755,43838;46
145,46319;48625,48737;50385,50480;51366,51542;52735,52840;64570,64695;70207,7035
0;71024,71176;82807,83353

36646 4277,82890 1,85;4270,4395;5414,5570;5786,5905;7078,7160;
7857,7974;12803,12950;15410,15497;15773,15833;19175,19270;22041,22163;22620,2271
1;23713,23811;25396,25522;28143,28216;28573,28767;30641,30727;33462,33545;34698,
34842;36896,37016;40243,40334;41811,41888;42862,42983;43407,43509;43755,43838;46
145,46319;48625,48737;50385,50480;51366,51542;52735,52840;64570,64695;70207,7035
0;71024,71176;82807,83353

36647 306,1827 12,677

36647 306,1827 3,061,826

36648 444,34104 1,512;8772,8856;10115,10314;11268,11387;12821,
12976;14602,14746;15673,15839;19352,19486;19989,20174;22060,22316;22423,22565;27
505,27729;30571,30807;31562,31686;33261,33518;34068,34113;34200,36367

36648 444,34104 1,512;8772,8856;10115,10314;11268,11387;12821,
12976;14602,14746;15673,15839;19352,19486;19989,20174;22060,22316;22423,22565;27
505,27729;30571,30807;31562,31686;33261,33518;34068,34113;34200,36371

36648 444,34398 1,512;8772,8856;10115,10314;11268,11387;12821,
12976;14602,14746;15673,15839;19352,19486;19989,20174;22060,22316;22423,22565;27
505,27729;30571,30807;31562,31686;33261,33518;34200,36371

36649 475,55870 1,590;2742,3077;50218,50438;55655,58515

36649 475,55870 6,590;2742,3077;50218,50438;55655,58517

36650 475,55870 1,590;2742,3077;50218,50438;55655,58515

36650 475,55870 6,590;2742,3077;50218,50438;55655,58517

36651 475,55870 1,590;2742,3077;50218,50438;55655,58515

36651 475,55870 6,590;2742,3077;50218,50438;55655,58517

36652 11242,43071 1,153;8424,8522;10778,10873;11219,11283;1744
0,17595;17826,17976;20286,20452;21007,21165;21304,21411;22410,22552;30267,30457;
31313,31439;33421,33560;36860,36990;42930,44211

36652 11242,43071 1,153;8424,8522;10778,10873;11219,11283;1744
0,17595;17826,17976;20286,20452;21007,21165;21304,21411;22410,22552;30267,30457;
31313,31439;33421,33560;36860,36990;42930,44216

36653 0,151715 1,118;339,381;83696,83837;136396,136556;142494,
142622;144496,144625;148599,148752;151528,151715

36653 0,162818 1,118;339,381;83696,83837;136396,136556;142494,
142622;144496,144625;159149,159302;162631,162846;163868,164996

36653 0,162818 1,118;339,381;83696,83837;136396,136556;142494,
142622;144496,144625;159149,159302;162631,162846;163868,165003

36654 4516,10797 1,1356;4517,4616;4904,4964;6038,6207;6334,644
8;6602,6634;6720,6886;7819,7982;9058,9199;9573,9692;9803,9899;10153,10235;10781,
11180

36654 4516,10797 3218,3298;4517,4616;4904,4964;6038,6207;6334,
6448;6602,6634;6720,6886;7819,7982;9058,9199;9573,9692;9803,9899;10153,10235;107
81,11185

36654 4516,9903 3234,3298;4517,4616;4904,4964;6038,6207;6334,6
448;6602,6634;6720,6886;7819,7982;9058,9199;9573,9692;9803,10117

36654 4516,10797 3234,3298;4517,4616;4904,4964;6038,6207;6334,

6448;6602,6634;6720,6886;7819,7982;9058,9199;9573,9692;9803,9899;10153,10235;10781,11185

36655 109,27772 1,202;22276,22443;23898,24023;27698,28307

36655 109,27772 1,202;22276,22443;27698,28307

36655 109,27772 51,202;22276,22443;23898,24023;27698,28307

36655 109,27772 51,202;22276,22443;27698,28307

36655 109,27772 51,202;23898,24023;27698,28307

36655 109,27772 51,202;27698,28307

36656 346,23920 1,376;12499,12664;17170,17307;18359,18467;20009,20070;20223,20285;21469,21551;22813,22830;23582,25254

36656 346,23920 1,376;12499,12664;17170,17307;18359,18467;20009,20070;20223,20285;21469,21551;22813,22837;23589,25254

36656 346,23920 1,376;12499,12664;17170,17307;18359,18467;20009,20070;20223,20285;21469,21551;23570,23920

36656 346,23600 1,376;12499,12664;17170,17307;18359,18467;20009,20070;20223,20285;21469,21551;23589,25254

36656 346,23920 1,376;12499,12664;17170,17307;18359,18467;20009,20070;21469,21551;22813,22830;23582,25254

36656 346,23920 1,376;12499,12664;17170,17307;18359,18467;20009,20070;21469,21551;22813,22837;23589,25254

36656 346,20276 1,376;12499,12664;17170,17307;20009,20070;20223,20285;21469,21551;22813,22830;23582,25254

36656 346,20276 1,376;12499,12664;17170,17307;20009,20070;20223,20285;21469,21551;22813,22837;23589,25254

36656 346,20276 1,376;12499,12664;17170,17307;20009,20070;20223,20285;22813,22830;23582,25254

36656 346,20276 1,376;12499,12664;17170,17307;20009,20070;20223,20285;22813,22837;23589,25254

36656 346,21471 1,376;12499,12664;17170,17307;20009,20070;21469,21551;22813,22830;23582,25254

36656 346,21471 1,376;12499,12664;17170,17307;20009,20070;21469,21551;22813,22837;23589,25254

36656 346,20276 1,376;12499,12664;20009,20070;20223,20285;21469,21551;22813,22830;23582,25254

36656 346,20276 1,376;12499,12664;20009,20070;20223,20285;21469,21551;22813,22837;23589,25254

36656 346,21471 1,376;12499,12664;20009,20070;21469,21551;22813,22830;23582,25254

36656 346,21471 1,376;12499,12664;20009,20070;21469,21551;22813,22837;23589,25254

36657 288,29341 1,900;2275,2328;8157,8231;28802,30858

36658 2373,6588 1,82;662,752;1318,1385;1708,1785;2067,6937

36658 2400,6588 1,82;662,752;1318,1385;1708,1785;2067,6937

36659 1493,6840 1231,1505;1510,1795;2495,2557;6179,6469;6734,8066

36659 1493,6840 1231,1795;2495,2557;6179,6469;6734,8066

36659 333074,343641 1,25;152053,152093;329006,329055;333033,333159;333253,333355;333547,333775;335318,335465;335725,335824;336347,336533;336641,336887;337413,337508;337617,337768;338851,339016;339749,339859;340966,341210;341359,341486;341724,341942;342418,342652;343233,343319;343322,343382;343438,3434

39;343501,344497

36660 1,524170 1,117;8068,8164;15118,15215;16906,16989;17073,17143;19079,19165;22931,22985;25191,25395;25469,25550;524076,524169

36660 327824,358360 323326,323429;327816,327949;336226,336318;337391,337472;350362,350423;353449,353553;355572,355662;358190,359488

36660 327824,356245 323385,323429;327816,327949;336226,336318;337391,337472;350362,350423;353449,353553;355572,355662;355988,356699

36661 357,3461 1,127;333,726;1617,1690;1816,2020;3183,3850

36661 357,3461 20,127;342,726;1617,1690;1816,2020;3183,3851

36662 357,3461 1,127;333,726;1617,1690;1816,2020;3183,3850

36662 357,3461 20,127;342,726;1617,1690;1816,2020;3183,3851

36663 3040,11877 1,114;2848,2908;3036,3125;3423,3770;5170,5451;7714,7914;8083,8103;8194,8220;9128,9154;9573,9599;11141,12880

36663 3463,11877 1,114;2848,2908;3423,3770;5170,5451;7714,7914;8083,8103;8194,8220;9128,9154;9573,9599;11141,12880

36664 105,4889 106,126;1768,1941;4077,4196;4201,4239;4244,4265;4383,4399;4402,4518;4677,5152

36664 1791,4969 1,132;1768,1941;4077,4265;4383,4518;4677,5152

36664 1791,4969 6,132;1768,1941;4077,4265;4383,4518;4677,5150

36665 35,3550 1,647;2843,3653

36665 35,3550 7,647;2843,3713

36666 2180,12977 1,1037;2128,2301;3281,3464;3759,3843;5973,6049;7259,7396;7747,7857;8883,9040;11158,11271;12883,14569

36666 2063,12977 1591,2301;3281,3464;3759,3843;5973,6049;7259,7396;7747,7857;8883,9040;11158,11271;12883,14567

36666 2180,12977 959,1037;2128,2301;3281,3464;3759,3843;5973,6049;7259,7396;7747,7857;8883,9040;11158,11271;12883,13028;13116,14567

36666 2180,12977 959,1037;2128,2301;3281,3464;3759,3843;5973,6049;7259,7396;7747,7857;8883,9040;11158,11271;12883,14567

36667 5565,52388 1,198;4248,4296;5555,5658;6144,6287;14045,14134;20911,21003;22409,22440;25722,25782;27796,27989;29714,29812;32240,32349;36788,36920;37756,37852;42549,42695;43295,43466;49696,49757;50275,50393;52301,53516

36668 0,5475 1,219;988,1177;1700,1857;5362,5514;5856,6057;6142,6273;6719,6855;7328,7417;9095,9147;9245,9312;9428,9552;12488,12589;12926,13076;13235,13352;13461,13536;14503,14643;14800,15349

36668 3944,14964 3543,3746;3852,4364;4367,4441;5362,5514;5856,6057;6142,6273;6719,6855;7328,7417;9095,9147;9245,9312;9428,9552;12488,12589;12926,13076;13235,13352;13461,13536;14503,14643;14800,15349

36668 3944,14964 3543,3746;3852,4441;5362,5514;5856,6057;6142,6273;6719,6855;7328,7417;9095,9147;9245,9312;9428,9552;12488,12589;12926,13076;13235,13352;13461,13536;14503,14643;14800,15349

36669 176,1062 1,221;300,430;539,640;717,829;944,1389

36670 828,153182 1,872;1726,1824;2911,2974;4171,4215;40694,40756;55412,55486;80631,80832;82097,82113;132821,132940;133927,133980;134785,134937;136156,136288;136631,136824;137661,137737;146760,147009;148084,148331;149779,149926;150489,150639;150997,151073;153075,154779

36670 828,153182 1,873;1727,1824;2911,2974;4171,4215;40694,40756;55412,55486;80631,80832;121672,121698;132831,132940;133927,133980;134785,134937;136156,136288;136631,136824;137661,137737;146760,147009;148084,148331;149779,149926;150489,150639;150997,151073;153075,154781

36671 191,621444 1,292;120882,120926;128057,128144;129733,1298
 42;284647,284839;285642,285746;315383,315510;503027,503145;519101,519197;621072,
 621140;621381,621805
 36672 364,91359 1,425;40386,40585;47398,47485;53005,53121;7244
 1,72645;78452,78584;81454,81527;83038,83159;84288,84484;87505,88037;91152,91988
 36672 40345,91359 39966,40585;47398,47485;53005,53121;72441,72
 645;78452,78584;81454,81527;83038,83159;84288,84484;87505,88037;91152,91988
 36673 160,5367 1,1760;3265,3550;4261,4390;5092,6938
 36674 1,196798 1,166;76283,76390;107919,107996;125306,125395;1
 67577,167808;171951,172137;177175,177271;178233,178370;178890,179008;180599,1808
 48;181292,181410;182481,182591;184231,184309;196637,196829;199092,203249
 36674 166613,172537 166614,166704;172524,172537
 36674 118,196798 6,166;107919,107996;125306,125395;167577,1678
 08;171951,172137;177175,177271;178233,178370;178890,179008;180599,180848;181292,
 181410;182481,182591;184231,184309;196637,196829;199093,203249
 36674 118,196798 6,166;76283,76390;107919,107996;125306,125395
 ;167577,167808;171951,172137;177175,177271;178233,178370;178890,179008;180599,18
 0848;181292,181410;182481,182591;184231,184309;196637,196829;199093,203249
 36675 248,35062 1,522;13808,13909;14062,14133;16310,16408;1734
 4,17445;18069,18141;21906,21985;29443,29636;30941,31019;31338,31483;33524,33580;
 34110,34203;34989,36652
 36675 16347,36535 16348,16408;17344,17445;18069,18141;21906,21
 985;29443,29636;30941,31019;31338,31487;36421,36455;36458,36535
 36675 512,35062 410,522;13808,13909;14062,14133;16310,16408;17
 344,17445;18069,18141;21906,21985;29443,29636;30941,31019;31338,31483;33524,3358
 0;34110,34203;34989,36652
 36675 512,35003 410,522;13808,13909;14062,14133;16310,16408;17
 344,17445;18069,18141;21906,21985;29443,29636;30941,31019;31338,31483;33524,3358
 0;34110,34223;34989,36652
 36675 470,31588 471,522;13808,13909;14062,14133;16310,16408;17
 344,17445;18069,18141;21906,21985;29443,29636;30941,31019;31338,33580;34110,3665
 2
 36676 103,34654 1,113;13400,13501;13654,13725;15902,16000;1693
 6,17037;17661,17733;21498,21577;29035,29228;30533,30611;30930,31075;33116,33172;
 33702,33795;34581,36244
 36676 103,34595 1,113;13400,13501;13654,13725;15902,16000;1693
 6,17037;17661,17733;21498,21577;29035,29228;30533,30611;30930,31075;33116,33172;
 33702,33815;34581,36244
 36677 11766,98499 1,184;3644,3782;11618,11770;14308,14361;4342
 5,43534;51546,51629;55906,55961;56296,56367;59263,59455;69130,69280;71318,71464;
 76908,77029;77829,77939;83531,83629;93632,93710;98114,98334;98434,98593
 36677 43423,98499 43424,43543;51546,51629;55906,55961;56296,56
 367;59263,59449;69121,69280;71318,71464;76908,77029;77829,77939;83531,83629;9363
 2,93710;98114,98334;98434,98499
 36677 43423,98499 43424,43543;51546,51629;55906,55961;56296,56
 367;59263,59449;69121,69280;71318,71464;76908,77029;83531,83629;93632,93710;9811
 4,98334;98434,98499
 36678 319,2196 1,28;313,443;630,1327;1740,1868;1947,2029;2109,
 2569
 36679 1717,3151 1,350;1575,3348

36679	1717,3151	43,63;299,350;1575,2073;2161,3344
36680	83,8750	1,86;7318,7455;8541,8981
36681	259,2664	1,709;2575,2672;4017,6399
36681	259,2664	1,709;2575,3115
36682	1316,25782	1,40;1216,1367;1948,2017;8785,8886;8970,9011; 19168,19297;19369,19491;19624,19664;19842,20007;20122,20312;24745,24840;25034,25 176;25363,25527;25744,26066
36682	1659,25782	1,40;1216,2017;8785,8886;8970,9011;19168,1929 7;19369,19491;19624,19664;19842,20007;20122,20312;24745,24840;25034,25176;25363, 25527;25744,26066
36682	2001,25782	1,40;1217,1367;1948,2017;8785,8886;8970,9011; 19168,19297;19369,19491;19624,19664;19842,20007;20122,20312;24745,24840;25034,25 176;25363,25527;25744,26066
36682	2001,25782	1,40;1217,2017;8785,8886;8970,9011;19168,1929 7;19369,19491;19624,19664;19842,20007;20122,20312;24745,24840;25034,25176;25363, 25527;25744,26066
36683	10613,10772	1,061,410,772
36683	10613,10772	1,84;10517,12115
36684	10613,10772	1,061,410,772
36684	10613,10772	1,84;10517,12115
36685	7772,11493	113,271;7072,7234;7691,7801;8013,8133;8306,83 91;8504,8585;9036,9422;10145,10311;10946,11045;11308,12541
36685	7772,11493	1,271;7072,7234;7691,7801;8013,8133;8306,8391 ;8504,8585;9036,9422;10145,10311;10946,11045;11308,12544
36686	205,5447	1,290;2294,2485;2918,3136;3483,3707;4411,4641;5 365,5486
36686	205,5102	179,290;2294,2485;2918,3136;3483,3707;4411,4641 ;5101,5486
36686	205,5447	179,290;2294,2485;2918,3136;3483,3707;4411,4641 ;5365,5486
36687	46405,46981	1,319;45733,45853;46197,47252
36688	84,35488	1,363;28705,28791;35123,37346
36689	84,35488	1,363;28705,28791;35123,37346
36690	8469,9321	1,52;8454,9956
36690	8469,9321	7988,8097;8454,9956
36691	16603,65906	1,59;16505,16690;29265,29345;53953,54045;631 29,63158;65811,65940;69219,69636
36691	6037,65906	5984,6271;16505,16690;29265,29345;53953,54045 ;63129,63158;65811,65940;69219,69625
36691	6037,65906	5984,6271;16505,16690;29265,29345;53953,54045 ;63129,63158;65811,65940;69219,69636
36692	3625,25477	1,86;3494,3769;8513,8610;9476,9636;9858,9990; 16902,17020;18268,18375;19587,19687;22382,22483;22716,22836;25290,25525
36692	3625,25477	2574,2644;3494,3769;8513,8610;9476,9636;9858, 9990;16902,17020;18268,18375;19587,19687;22382,22483;22716,22836;25290,25525
36693	2,15047	1,103;13044,13111;13268,13385;13991,14014;14017, 14074;14229,14239;14244,14322;15015,15303
36693	20,15047	11,145;13044,13111;13268,13385;13991,14074;1422 9,14322;15015,15309
36694	25349,53085	1,223;24901,26072;52741,54690

36694 25349,53085 136,223;24901,26072;52741,54688
36695 829,14016 1,307;828,874;3430,3487;5253,5300;7733,7862;86
21,8776;8857,8956;9612,9747;10458,10543;10778,10876;10961,11121;11524,11668;1177
7,11921;12155,12336;12411,12528;12801,12954;13297,13436;13937,14421
36695 829,14016 759,874;3430,3487;5253,5300;7733,7862;8621,877
6;8857,8956;9612,9747;10458,10543;10778,10876;10961,11121;11524,11668;11777,1192
1;12155,12336;12411,12528;12801,12954;13297,13436;13937,16372
36696 1,477865 1,37;202008,202091;205605,205645;207636,207691;
211908,212004;216976,217124;221749,221833;228856,229007;260341,260422;261268,261
328;265897,266029;270511,270599;290235,290360;304337,304461;305602,305764;310420
,310526;328952,329108;333574,333671;333786,333869;334048,334148;336483,336564;33
7984,338154;342574,342766;359012,359139;361241,361375;371452,371550;383682,38377
6;394189,394264;396737,396837;397259,397317;415533,415681;417391,417476;422186,4
22281;423214,423274;427769,427862;436461,436609;439020,439106;440916,441020;4458
16,445957;447348,447514;450537,450623;458695,458871;459721,459804;464006,464125;
464477,464598;464924,465044;466661,466742;466895,467004;469149,469221;470971,471
084;473851,473912;477418,477864
36696 202007,477865 202007,202091;205605,205645;207636,207691;
211908,212004;216976,217124;221749,221833;228856,229007;260341,260422;261268,261
328;265897,266029;270511,270599;290235,290360;304337,304461;305602,305764;310420
,310526;328952,329108;333574,333671;333786,333869;334048,334148;336483,336564;33
7984,338154;342574,342766;359012,359139;361241,361375;371452,371550;383682,38377
6;394189,394264;396737,396837;397259,397317;415533,415681;417391,417476;422015,4
22041;422186,422281;423214,423274;427769,427862;436461,436609;439020,439106;4409
16,441020;445816,445957;447348,447514;450537,450623;458695,458871;459721,459804;
464006,464125;464477,464598;464924,465044;466661,466742;466895,467004;469149,469
221;470971,471084;473851,473912;477418,477864
36696 202007,477865 202007,202091;205605,205645;207636,207691;
211908,212004;216976,217124;221749,221833;228856,229007;260341,260422;261268,261
328;265897,266029;270511,270599;290235,290360;304337,304461;305602,305764;310420
,310526;328952,329108;333574,333671;333786,333869;334048,334148;336483,336564;33
7984,338154;342574,342766;359012,359139;361241,361375;371452,371550;383682,38377
6;394189,394264;396737,396837;397259,397317;415533,415681;417391,417476;422186,4
22281;423214,423274;427769,427862;436461,436609;439020,439106;440916,441020;4458
16,445957;447348,447514;450537,450623;458695,458871;459721,459804;464006,464125;
464477,464598;464924,465044;466661,466742;466895,467004;469149,469221;470971,471
084;473851,473912;477418,477864
36696 422213,477865 421878,422041;422186,422281;427769,427862;
436461,436609;439020,439106;440916,441020;445816,445957;447348,447514;450537,450
623;458695,458871;459721,459804;464006,464125;464477,464598;464924,465044;466661
,466742;466895,467004;469149,469221;473851,473912;477418,480026
36697 2108,30542 1,79;1163,1277;2094,2151;2270,2472;2786,3008;
3130,3305;3572,3686;7557,7726;7963,8051;8257,8401;8834,8913;19517,19631;20726,20
890;21171,21271;21612,21865;26195,26338;27039,27169;29834,29960;30463,31506
36697 2108,30542 1,79;2094,2151;2270,2472;2786,3008;3130,3305;
3572,3686;7557,7726;7963,8051;8257,8401;8834,8913;19517,19631;20726,20890;21171,
21271;21612,21865;26195,26338;27039,27169;29834,29960;30463,31506
36697 2108,8917 1,79;2094,2151;2270,2472;2786,3008;3130,3305;3
572,3686;7557,7726;7963,8051;8257,8401;8834,9432
36697 2108,8917 1,79;2094,2151;2270,2472;2786,3008;3130,3305;3

572,3686;7557,7726;7963,8051;8257,8401;8834,9438
 36698 53916,169017 1,212;53313,54090;111957,112121;120697,1208
 97;124485,124748;135163,135316;142817,142852;144140,144234;169003,171800
 36698 53916,169130 1,212;53313,54090;111957,112121;120697,1208
 97;124485,124748;135163,135316;169003,171800
 36698 53916,169017 35,212;53313,54090;111957,112121;120697,120
 897;124485,124748;135163,135316;142817,142852;144140,144234;169003,169691
 36698 53916,169017 36,212;53312,54090;111957,112121;120697,120
 897;124485,124748;135163,135316;142817,142852;144140,144234;169003,171801
 36699 132,187146 1,185;24291,24401;29072,29180;50937,51152;543
 14,54403;55286,55449;56586,56711;60138,60384;62054,62146;68679,68861;79502,79693
 ;107777,107871;110391,110477;111972,112695;114968,115096;122864,122901;123570,12
 3820;126712,126791;130557,130707;131619,131846;134651,134751;147560,147808;16247
 6,162631;172880,172969;184726,184898;185497,185602;186946,188699
 36700 3329,20227 1,134;489,766;2672,2707;3306,3577;7989,8226;1
 3087,13272;13530,13631;14080,14207;15669,15795;17026,17132;17805,17905;19099,191
 80;19270,19425;20017,20354
 36700 3329,20227 1,134;489,766;2672,2707;3306,3577;7989,8226;1
 3087,13272;13530,13631;14080,14207;15669,15795;17026,17132;17805,17905;19099,191
 80;19270,19425;20017,20357
 36700 3329,20227 14,134;2672,2707;3306,3577;7989,8226;13087,13
 272;13530,13631;14080,14207;15669,15795;17026,17132;17805,17905;19099,19180;1927
 0,19425;20017,20354
 36700 3329,20227 352,766;2672,2707;3306,3577;7989,8226;13087,1
 3272;13530,13631;14080,14207;15669,15795;17026,17132;17805,17905;19099,19180;192
 70,19425;20017,20357
 36701 21,80563 1,88;37518,37787;40290,40571;41636,41772;45730,
 45898;49104,49293;51430,51545;65590,65704;67863,68056;69224,69330;69422,69548;69
 829,69933;70017,70127;71341,71491;73334,73425;73877,74004;75076,75198;78504,7861
 5;78727,78826;79181,79286;80435,82414;82532,82695
 36701 21,80563 1,88;37518,37787;40290,40571;41636,41772;45730,
 45898;49104,49293;51430,51545;65590,65704;67863,68056;69224,69330;69422,69548;69
 829,69933;70017,70127;71341,71491;73334,73425;73877,74004;75076,75198;78504,7861
 5;78727,78826;79181,79286;80435,82424
 36702 221,24521 1,614;8627,8730;14396,14550;15577,15748;17274,
 17400;19170,19270;20939,21153;22682,22864;23925,24060;24434,25860
 36702 221,24521 1,614;8627,8730;14396,14550;15577,15748;17274,
 17400;19170,19270;20939,21153;22682,22864;23925,24060;24434,25862
 36703 188,6007 1,253;606,681;1130,1251;1476,1536;1707,1849;230
 9,2387;2509,2644;5871,6471;6919,8184
 36703 248,6007 1,253;606,681;1130,1251;1476,1536;1707,1849;230
 9,2387;2509,2644;5871,6471;6920,8184
 36703 671,7970 485,681;1215,1251;1476,1536;1707,1849;2309,2387
 ;2509,2644;2893,2980;3137,3225;3305,3429;4506,4572;4822,4892;5410,5576;5871,6044
 ;6289,6471;6920,7213;7519,7681;7935,8184
 36704 24345,64553 1,159;17319,17393;24297,26043;28233,28355;57
 825,58068;64513,64597;66555,68720
 36704 24345,64553 1,159;17319,17393;24297,26045;28235,28355;57
 825,58068;64513,64597;66555,68720
 36705 2,51767 1,119;14730,14837;16753,16851;17377,17502;21777,

21835;22496,22630;24992,25053;28435,28514;29025,29142;34374,34543;36272,36367;36
469,36566;36869,36989;39366,39523;40786,40900;46027,46154;48391,48558;50746,5090
7;51722,52640

36705 113,51767 15,119;14730,14837;16753,16851;17377,17502;217
77,21835;22496,22630;24992,25053;28435,28514;29025,29142;34374,34537;36272,36367
;36469,36566;36869,36989;39366,39523;40786,40900;46027,46154;48391,48558;50746,5
0907;51722,52630

36706 14406,129730 1,411;747,848;14302,14607;29859,29985;11129
5,111434;122203,122382;123366,123542;123611,123790;124580,124812;125165,125294;1
26802,126933;127649,127892;128719,128796;129388,129479;129485,130613

36706 14307,129539 1,411;747,848;14302,14607;29859,29985;11129
5,111434;122203,122382;123366,123542;123611,123790;124580,124812;125165,125294;1
26802,126933;127649,127892;128719,128796;129388,130613

36706 14307,128888 1,411;747,848;14302,14607;29859,29985;11129
5,111434;122203,122382;123366,123542;123611,123790;124580,124812;125165,125294;1
26802,126933;127649,127892;128719,130613

36706 782,128888 1,411;747,848;14302,14607;29859,29985;111295,
111434;122203,122382;123366,123542;123611,123790;124580,124812;125165,125294;126
802,126933;127649,127892;128719,130613

36706 95044,129539 95045,95258;111295,111434;122203,122382;123
366,123542;123611,123790;124580,124812;125165,125294;126802,126933;127649,127892
;128719,128796;129388,130595

36707 85,106506 1,112;30426,30536;36267,36370;103700,103898;10
6369,107781

36707 28351,106506 27689,28537;30426,30536;36267,36370;103700,
103898;106369,107781

36707 28351,106506 27986,28537;30426,30536;36267,36370;103700,
103898;106369,107776

36708 49,633151 1,161;166722,166892;176588,176700;214977,21521
9;260705,260884;263763,263852;265783,265900;271309,271487;282380,282479;294510,2
94670;307009,307149;309484,309657;366916,367017;368888,369099;377515,377626;3839
10,384023;387428,387555;396865,396951;404651,404862;408418,408524;414489,414669;
417540,417676;429665,429901;431459,431602;432280,432459;432566,432754;432842,432
975;437342,437459;445082,445216;459147,459271;466102,466188;469968,470161;483023
,483165;486696,486794;499926,500037;508295,508457;509849,510059;518028,518144;51
9128,519291;520625,520763;544556,544658;555450,555566;557620,557802;559026,55903
1;562471,562625;569792,569935;570959,571092;573139,573298;577004,577128;581094,5
81256;581949,582093;590018,590156;592194,592205;595497,595617;598067,598243;6032
78,603426;608705,608881;609119,609287;619463,619575;619895,620084;622004,622159;
624293,624446;629167,629297;631177,631399;632994,633367

36708 49,633151 1,161;166722,166892;176588,176700;214977,21521
9;260705,260884;263763,263852;265783,265900;271309,271487;282380,282479;294510,2
94670;307009,307149;309484,309657;366916,367017;368888,369099;377515,377626;3839
10,384023;387428,387555;396865,396951;404651,404862;408418,408524;414489,414669;
417540,417676;429665,429901;431459,431602;432280,432459;432566,432754;432842,432
975;437342,437459;445082,445216;459147,459271;466102,466188;469968,470161;483023
,483165;486696,486794;499926,500037;508295,508457;509849,510059;518028,518144;51
9128,519291;520625,520763;544556,544658;555450,555566;557620,557802;559867,55987
2;562471,562625;569792,569935;570959,571092;573139,573298;577004,577128;581094,5
81256;581949,582093;590018,590156;592194,592205;595497,595617;598067,598243;6032

78,603426;608705,608881;609119,609287;619463,619575;619895,620084;622004,622159;
624293,624446;629167,629297;631177,631399;632994,633367
36708 49,633151 1,161;166722,166892;176588,176700;214977,21521
9;260705,260884;263763,263852;265783,265900;271309,271487;282380,282479;294510,2
94670;307009,307149;309484,309657;366916,367017;368888,369099;377515,377626;3839
10,384023;387428,387555;396865,396951;404651,404862;408418,408524;414489,414669;
417540,417676;429665,429901;431459,431602;432280,432459;432566,432754;432842,432
975;437342,437459;445082,445216;459147,459271;466102,466188;469968,470161;483023
,483165;486696,486794;499926,500037;508295,508457;509849,510059;518028,518144;51
9128,519291;520625,520763;544556,544658;555450,555566;557620,557802;562471,56262
5;569792,569935;570959,571092;573139,573298;577004,577128;581094,581256;581949,5
82093;590018,590156;595205,595216;595497,595617;598067,598243;603278,603426;6087
05,608881;609119,609287;619463,619575;619895,620084;622004,622159;624293,624446;
629167,629297;631177,631399;632994,633367
36708 49,633116 50,161;166722,166892;176588,176700;214977,2152
19;260705,260884;263763,263852;265783,265900;271309,271487;282380,282479;294510,
294670;307009,307149;309484,309657;366916,367017;368888,369099;377515,377626;383
910,384023;387428,387555;396865,396951;404651,404862;408418,408524;414489,414669
;417540,417676;429665,429901;431459,431602;432280,432459;432566,432754;432842,43
2975;437342,437459;445082,445216;459147,459271;466102,466188;469968,470161;48302
3,483165;486696,486794;499926,500037;508295,508457;509849,510059;518028,518144;5
19128,519291;520625,520763;544556,544658;555450,555566;557620,557802;562471,5626
25;569792,569935;570959,571092;573139,573298;577004,577128;581094,581256;581949,
582093;590018,590156;595205,595216;595497,595617;598067,598243;603278,603426;608
705,608881;609119,609287;619463,619575;619895,620084;622004,622159;624293,624446
;629167,629297;631177,631399;632994,633073;633078,633116
36709 22,14325 1,54;4641,4850;8418,8603;9360,9551;10182,10313;
14121,17575
36709 22,14325 22,54;4641,4850;8418,8603;9360,9551;10182,10313
;14121,14581
36710 135,21595 1,142;237,323;6950,7066;7484,7624;7826,7969;10
422,10603;10715,10798;12560,12806;15497,15672;19249,19396;21240,24753
36710 135,21595 1,142;237,323;6950,7066;7484,7624;7826,7969;10
422,10603;10715,10798;12560,12806;15497,15783;19249,19396;21240,24753
36710 6,21595 1,142;237,323;6950,7066;7484,7624;7826,7969;1042
2,10603;10715,10798;12560,12806;15497,15783;19249,19396;21240,24753
36711 135,21595 1,142;237,323;6950,7066;7484,7624;7826,7969;10
422,10603;10715,10798;12560,12806;15497,15672;19249,19396;21240,24753
36711 135,21595 1,142;237,323;6950,7066;7484,7624;7826,7969;10
422,10603;10715,10798;12560,12806;15497,15783;19249,19396;21240,24753
36711 6,21595 1,142;237,323;6950,7066;7484,7624;7826,7969;1042
2,10603;10715,10798;12560,12806;15497,15783;19249,19396;21240,24753
36712 881,5278 1,183;859,1009;2120,2444;3120,3281;3408,3599;43
94,4575;5134,5458
36712 881,5278 29,183;859,1009;2120,2444;3120,3281;3408,3599;4
394,4575;5134,5458
36713 114,2937 1,117;752,916;2717,2806;2887,3058
36713 114,2937 74,117;752,916;2717,2806;2887,3125
36714 15159,15603 1,546;15143,16386
36714 15159,15603 1,546;9335,9438;15143,16386

36714	9352,9796	398,546;9335,9969
36714	9352,9796	398,546;9335,9972
36714	15159,15603	4561,4662;15143,16386
36715	160,35530	1,50;138,316;5419,5570;6005,6178;6993,7084;722
		9,7309;7654,7769;10371,10483;10631,10818;12381,12498;13101,13259;13582,13884;155
		63,15716;15932,16802;19679,19816;20118,20874;21792,21994;22318,22408;22615,22761
		;24860,25123;27037,27261;27539,27628;27954,28214;28300,28430;28660,28864;29742,3
		0116;31117,31361;31457,31595;32220,32304;32551,32747;33089,33231;33321,33396;334
		82,33532;33753,33973;34233,34406;34960,35002;35296,36148
36715	160,35162	160,316;5419,5570;6005,6178;6993,7084;7229,730
		9;7654,7769;10371,10483;10631,10818;12381,12498;13101,13259;13582,13884;15563,15
		716;15932,16802;19679,19816;20118,20874;21792,21994;22318,22408;22615,22761;2486
		0,25123;27037,27261;27539,27628;27954,28214;28300,28430;28660,28864;29742,30116;
		31117,31361;31457,31595;32220,32304;32551,32747;33089,33231;33321,33396;33482,33
		532;33753,33973;34233,34406;34960,36148
36716	69,4985	1,500;1546,1628;2067,2223;2824,2985;3487,3612;36
		99,3919;4020,4042;4890,5138
36716	69,4985	21,500;1546,1628;2067,2223;2824,2985;3487,3612;3
		699,3919;4020,4042;4890,5135
36717	15159,15603	1,546;15143,16386
36717	15159,15603	1,546;9335,9438;15143,16386
36717	15159,15603	4561,4662;15143,16386
36718	146,7402	1,201;4232,4347;6830,7720
36718	146,7402	51,201;4232,4347;6830,7720
36719	30,8781	11,226;2090,2220;4950,5051;5526,5672;7189,7343;7
		481,7563;7726,7897;8263,8384;8630,8959
36719	30,8781	1,226;2090,2220;4950,5051;5526,5672;7189,7343;74
		81,7563;7726,7897;8263,8384;8630,8788;8992,9239
36720	86599,147782	1,167;22747,22910;72588,72667;86573,86681;1
		20631,120733;122160,122391;122692,122839;123200,123305;127332,127515;128747,1289
		90;133537,133599;134765,134895;137838,138048;139560,139783;141005,141132;143188,
		143379;143672,143906;146116,146265;147648,147981
36720	86599,147782	6,167;22747,22910;86573,86681;120631,120733
		;122160,122391;122692,122839;123200,123305;127332,127515;128747,128990;133537,13
		3599;134765,134895;137838,138048;139560,139783;141005,141132;143188,143379;14367
		2,143906;146116,146265;147648,147957
36721	85,9647	1,194;4550,4648;9247,9793
36722	116,172381	1,238;45384,45472;61412,61535;80073,80163;834
		43,83589;126209,126307;127788,127940;136549,136759;163826,164027;172174,174027
36722	218,172381	1,238;45384,45472;61412,61535;80073,80163;834
		43,83589;126209,126307;127788,127940;136549,136759;163826,164027;172174,174027
36722	14544,172381	14447,14597;45384,45472;61412,61535;80073,8
		0163;83443,83589;126209,126307;127788,127940;136549,136759;163826,164027;172174,
		174027
36723	168,53900	1,182;6416,6487;7290,7378;11747,11852;29628,29
		687;31414,31505;34368,34402;35227,35306;35913,36012;37836,37960;40586,40690;4369
		8,43824;48951,49132;53750,54107
36724	167,53906	1,182;6416,6487;7290,7378;11747,11852;29628,29
		687;31414,31505;34368,34402;35227,35306;35913,36012;37836,37960;40586,40690;4369
		8,43824;48950,49131;53757,54114

36725 362,291416 129,814;35047,35237;73105,73221;204106,204244
 ;253441,253574;286835,287018;291182,291428
 36725 362,291416 1,814;35047,35237;73105,73221;136623,136958;2
 04106,204244;253441,253574;286835,287018;291182,292677;292685,295721
 36725 362,291416 1,814;35047,35237;73105,73221;136623,136958;2
 04106,204244;253441,253574;286835,287018;291182,295721
 36725 362,204229 363,444;204135,204229
 36725 362,291416 363,814;253441,253574;286835,287018;291182,29
 1416
 36725 362,73220 363,814;35047,35237;73105,73221;136623,136958;
 204106,204244;253441,253574;317716,322051
 36726 489,108572 132,789;49691,49865;100501,100742;108294,1106
 75
 36726 489,108572 132,789;49691,49865;100501,100742;108294,1106
 83
 36726 1,108572 1,79;49691,49865;100501,100742;108294,110675
 36727 8339,52736 1,24;8071,8374;19660,19881;20288,20423;20755,
 20897;21438,21561;21675,21790;24586,24741;25922,26030;26921,27050;37134,37204;41
 409,41585;45213,45372;46796,47010;52497,53192
 36728 1133,1934 1,72;1120,1974
 36728 1133,1934 1,72;1120,1976
 36729 80,1689 1,143;497,719;935,1807
 36729 80,1689 1,143;497,719;935,1815
 36730 339,3162 1,507;1900,4371
 36730 489,3162 53,298;399,507;1900,4368
 36731 77,4213 1,626;770,799;830,839;987,1055;1294,1455;3171,33
 12;4153,4663;182891,182988
 36731 46586,79135 46573,46661;49558,49788;64763,64927;65997,66
 440;66997,67208;71646,72074;72664,73051;73379,73578;74079,74331;75450,75643;7595
 6,76055;76621,76893;76985,77171;77445,77622;78985,79535
 36731 46586,79135 46573,46661;49558,49788;64763,64927;65997,66
 440;66997,67208;71646,72074;72664,73051;73379,73578;74079,74331;75450,75643;7595
 6,76055;76621,76893;76985,77171;77445,77622;78985,79538
 36731 46586,74601 46573,46661;49558,49788;64763,64927;65997,66
 440;66997,67208;71646,72074;72664,73051;73379,73578;74079,75072
 36731 46586,74601 46586,46661;49558,49788;64763,64871;65683,65
 715;66142,66440;66997,67208;71646,72074;72664,73051;73379,73578;74079,75065
 36731 68996,79135 68672,69103;71646,72074;72664,73051;73379,73
 578;74079,74331;75450,75643;75956,76055;76621,76893;76985,77171;77445,77622;7898
 5,79535
 36731 68996,79135 68672,69103;71646,72074;72664,73051;73379,73
 578;74079,74331;75450,75643;75956,76055;76621,76893;76985,77171;77445,77622;7898
 5,79538
 36732 8070,22391 1,386;980,1069;1152,1488;4301,5598;7463,7606;
 7952,8134;18209,18384;18625,18713;20760,20935;22384,23188
 36732 8070,20940 1,386;980,1069;1152,1488;4301,5598;7463,7606;
 7952,8134;18209,18384;18625,18713;20760,23188
 36733 93,73837 1,147;18507,18582;22720,22806;49671,49732;50493
 ,50564;51282,51419;64767,64919;68341,68562;68746,68947;69353,69554;70917,70985;7
 1584,71746;73314,73348;73807,75351

36733 93,75780 1,147;18507,18582;22720,22806;49671,49732;50493
 ,50564;51282,51419;64767,64919;68341,68562;68746,68947;69353,69554;70917,70985;7
 1584,71746;73314,73348;75753,75798;80609,81063
 36733 93,81144 1,147;18507,18582;22720,22806;49671,49732;50493
 ,50564;51282,51419;64767,64919;68341,68562;68746,68947;69353,69554;70917,70985;7
 1584,71746;73314,73348;80609,80656;81069,82271
 36734 1198,9092 1,268;1128,1571;8191,9859
 36735 1198,9092 1,268;1128,1571;8191,9859
 36736 119,23802 1,180;10168,10381;14001,14098;18151,18294;1929
 0,19462;20620,20800;20885,21014;23408,23894
 36736 119,23802 1,180;10168,10381;14001,14098;18151,18294;1929
 0,19462;20620,20800;20885,21018;23412,23762;23765,23788;23791,23893
 36737 21,21838 1,90;668,731;2474,2601;2686,2807;5141,5235;7469
 ,7627;9254,9388;11051,11145;13017,13161;16611,16780;18144,18316;21775,21979;2198
 6,23022
 36737 21,21838 1,90;668,731;2474,2601;2686,2807;5141,5235;7469
 ,7627;9254,9388;11051,11145;13017,13161;16611,16780;18144,18316;21775,23022
 36738 3735,10740 1,296;3706,3899;5067,5241;7749,7866;10205,123
 69
 36739 43,72437 1,183;15471,15592;22021,22156;22232,22381;22827
 ,22874;30752,30807;39896,39968;43459,43520;50696,50761;59355,59444;62850,62949;6
 6260,66405;68796,68910;72389,73564
 36740 161,6704 1,193;1969,2041;2338,2414;5368,5488;5707,5820;6
 187,6328;6421,6551;6636,7917
 36740 161,6704 40,193;1969,2041;2338,2414;5368,5488;5707,5820;
 6187,6328;6421,6551;6636,7921
 36741 3180,28000 1,106;3126,3584;5077,5174;12380,12792;22937,2
 3101;27449,29701
 36742 1583,2660 1,80;1566,1682;2622,3063
 36743 32176,325040 1,114;167,220;32168,32284;37839,37953;40694
 ,40784;97330,97445;204959,205048;212262,212424;214503,214602;223395,223520;25562
 2,255768;260114,260227;263066,263199;266724,266868;303504,303644;307810,307935;3
 24930,325870
 36743 32176,325040 1,220;32168,32284;37839,37953;40694,40784;5
 5504,55563;97330,97445;204959,205048;212262,212424;214503,214602;223395,223520;2
 55622,255768;260114,260227;263066,263199;266724,266868;303504,303644;307810,3079
 35;324930,325870
 36743 32176,325040 37,220;32168,32284;37839,37953;40643,40784;
 55504,55563;97330,97445;204959,205048;212262,212424;214503,214602;223395,223520;
 255622,255768;260114,260227;263066,263199;266724,266868;303504,303644;307810,307
 935;324930,325852
 36743 32176,325040 37,220;32168,32284;37839,37953;40643,40784;
 55504,55563;97330,97445;204959,205048;212262,212424;214503,214602;223395,223520;
 255622,255768;260114,260227;263066,263199;266724,266868;303504,303647;307813,307
 935;324930,325859
 36744 145,8739 1,280;1975,2084;3387,3487;8522,9518
 36744 145,8739 1,280;1975,2084;3387,3487;8522,9521
 36745 43158,44238 1,250;10067,10150;32303,32360;43112,45124
 36745 43158,44238 1,250;10067,10150;43112,45124
 36745 43158,44238 1,250;32303,32360;43112,45124

36745	43158,44238	1,250;43112,45124
36745	43158,44238	41921,42079;43112,45124
36745	43158,44238	41923,42079;43112,45124
36746	2084,31967	1,71;1993,2243;2668,2830;3045,3196;3638,3745; 5378,5497;5824,5939;6552,6724;8234,8396;10534,10724;12585,12764;14589,14694;1976 7,19984;28165,28297;31904,32053
36746	2084,31967	9,71;1993,2243;2668,2830;3045,3196;3638,3745; 5378,5497;5824,5939;6552,6738;8242,8396;10534,10724;12585,12764;14589,14694;1976 7,19984;28165,28297;31904,32053
36747	0,332704	1,577;16257,16460;332316,332704
36747	325452,329001	325428,325507;326380,326536;326624,326768; 327462,327719;328855,329369
36747	325452,329001	325428,325507;326380,326536;326624,326768; 327462,327719;328855,329371
36748	758248,808277	1,62;172864,172915;246938,246977;346106,34 6180;453705,453753;646889,646929;758175,758276;766877,767064;795403,797007;80785 5,808603
36748	795423,808277	1,62;172865,172915;246939,246977;346107,34 6180;453706,453753;646890,646929;758176,758276;766877,767064;795403,797007;80785 5,808603
36748	795423,808277	388341,388385;436968,437013;453706,453753; 646890,646929;758176,758276;766877,767064;795403,797007;807855,808590
36749	1252,3915	1,67;1248,1313;1770,1802;2305,2379;2709,2745;3 645,3694;3893,3944;4089,4222
36749	1252,3915	1,67;1249,1313;1770,1802;2305,2379;2709,2745;3 645,3694;3893,3944;4090,4222
36749	1252,3915	661,761;1248,1313;1770,1802;2305,2379;2709,274 5;3645,3694;3893,3944;4089,4223
36749	1252,3915	661,761;1249,1313;1770,1802;2305,2379;2709,274 5;3645,3694;3893,3944;4090,4223
36750	18738,48317	1,81;18713,18826;19607,19737;20505,20616;207 39,20924;46232,46375;48100,48746
36750	18738,48317	18642,18826;19607,19737;20505,20616;20739,20 924;46232,46375;48100,48746
36751	166101,503151	1,463;108195,108291;166024,166224;208235,2 08334;227630,227675;308157,308219;319080,319178;321160,321373;343807,344092;3487 44,348879;355576,355780;391352,391559;409426,409543;423210,423391;426906,427049; 437760,437907;479401,479626;482942,483160;491790,491960;494019,494174;495590,495 637;501463,501674;503031,505851;505912,507300
36751	166101,503151	166101,166224;208235,208334;227630,227675; 308157,308219;319080,319178;321160,321373;343807,344092;348744,348879;355576,355 780;391352,391559;409426,409543;423210,423391;426906,427049;437760,437907;479401 ,479626;482942,483160;491790,491960;494019,494174;495590,495637;501463,501674;50 3031,503150
36752	90,86137	11,190;15357,15415;21919,21993;23211,23247;2688 7,26972;28669,28716;43697,43730;46457,46654;50786,51053;54256,54435;63423,63635; 65186,65322;68235,68375;71068,71256;73049,73171;75397,75568;80077,80269;81849,82 059;83755,83828;84625,84780;85916,87543
36752	90,86137	1,190;15357,15415;21919,21993;23211,23247;26887 ,26972;28669,28716;43697,43730;46457,46654;50786,51053;54256,54435;63423,63635;6

5186,65322;68235,68375;71068,71256;73049,73171;75397,75568;80077,80269;81849,82059;83755,83828;84625,84780;85916,87543

36753 76,25860 1,148;10377,10424;12290,12407;12691,12786;13612,13712;17368,17511;18535,18685;20075,20170;20907,21020;22453,22517;24672,24829;25740,26012

36753 76,25860 1,148;10377,10424;12290,12407;12691,12786;13612,13712;17368,17511;18535,18685;20075,20170;20907,21020;22453,22517;24672,24829;25740,26018

36753 76,14593 37,148;10377,10424;12290,12407;12691,12786;13612,13712;14540,15409

36754 713,120046 1,1202;55731,55923;81151,81299;101335,101529;115045,115121;116463,116573;119896,120136

36755 713,120046 1,1202;55731,55923;81151,81299;101335,101529;115045,115121;116463,116573;119896,120136

36756 6430,64082 1,149;6422,7946;51152,51318;63957,64558

36757 4363,86644 1,129;4161,4542;37519,37688;46760,46857;49409,49476;50285,50355;53412,53499;53909,53997;57490,57577;58288,58367;68938,68998;69620,69704;74428,75860;80978,81115;82315,82536;84730,84858;85047,85281;85704,85864;86515,87007

36757 4363,86644 4158,4542;37519,37688;46760,46857;49409,49476;50285,50355;53412,53499;53909,53997;57490,57577;58288,58367;68938,68998;69620,69704;74428,75860;80978,81115;82315,82536;84730,84858;85047,85281;85704,85864;86515,87007

36758 221,3795 1,934;3293,3895

36758 221,3795 21,281;286,934;3293,3895

36759 120,1964 1,510;1284,2372

36759 377,1699 377,487;492,510;1284,1294;1299,1319;1324,1371;1376,1576;1581,1598;1603,1698

36760 216,10806 1,40;158,265;2552,2572;3691,3705;7417,7434;7882,8130;8971,9138;9712,9758;10750,11438

36761 2409,5496 1,96;2374,2448;3246,3402;3730,3995;4812,4948;5343,5807

36761 523,5496 411,583;2374,2448;3246,3402;3730,3995;4812,4948;5343,5807

36761 2409,5496 6,96;2374,2448;3246,3402;3730,3995;4812,4948;5343,5807

36762 8053,11127 1,399;8039,8294;11072,11318

36763 15356,50264 1,269;15343,15470;16866,16973;41503,41688;42997,43130;44626,44923;45378,45575;46439,46681;49118,49222;50157,50595

36763 15356,50264 1,269;15343,15470;16866,16973;41503,41688;42997,43130;44626,44923;45378,45575;46439,46681;49118,49222;50157,50595

36763 1222,50264 917,1241;15343,15470;16866,16973;41503,41688;42997,43130;44626,44923;45378,45575;46439,46681;49118,49222;50157,50595

36763 1222,50264 917,1241;15343,15470;16866,16973;41503,41688;42997,43130;44626,44923;45378,45575;46439,46681;49118,49222;50157,50595

36764 13358,25613 13259,13457;17989,18024;18252,18372;20668,20783;20880,21027;21341,21484;24393,24650;25507,26391

36764 13358,25613 13259,13457;17989,18024;18252,18372;20668,20783;20880,21027;21341,21484;25507,26386

36764 13358,25613 13259,13457;17989,18024;18252,18372;20668,20783;20880,21027;21341,21484;25507,26386

783;20880,21027;21341,21484;25507,26391

36764 13358,25613 1,93;4185,4295;4392,4554;13139,13457;17989,1
8024;18252,18372;20668,20783;20880,21027;21341,21484;24393,24650;25507,26391

36765 33377,146323 1,310;33291,33598;69316,69438;135713,135859
;143162,143244;143469,143553;144100,144183;144383,144469;145168,145285;145604,14
7278

36765 33377,146323 22,310;33291,33598;69316,69437;105202,10525
0;135713,135859;143162,143244;143469,143553;144100,144183;145168,145285;145604,1
47279

36765 33377,146323 5,310;33291,33598;69316,69437;105202,105250
;135713,135859;143162,143244;143469,143553;144100,144183;144383,144469;145168,14
5285;145604,147278

36765 156657,161857 69812,69829;156647,156771;157601,157749;15
7838,157877;157992,158065;158203,158244;158328,158399;158475,158588;158674,15877
1;158852,158996;159076,159139;159313,159501;159606,159742;159828,159980;159986,1
59991;160605,160646;161725,161919

36766 710,20181 1,107;625,879;1377,1530;3367,3429;9070,9171;11
224,11407;16803,16924;17623,17707;20116,20439

36766 710,20181 680,879;1377,1530;3367,3429;9070,9171;11224,11
407;16803,16924;17623,17707;20116,20443

36767 141951,295501 1,32;141941,142021;205115,205180;264967,26
5096;270994,271166;275901,276079;287284,287449;289506,289596;294129,294198;29453
0,297954

36767 141951,302306 1,32;141941,142021;205115,205180;264967,26
5096;270994,271166;275901,276079;287284,287449;289506,289596;302297,302306

36767 141951,295501 141952,142021;264967,265096;270994,271166;
275901,276079;287284,287449;289506,289596;294129,294198;294530,295501

36768 43152,44439 1,76;831,948;41687,41832;43010,48185

36769 179,36278 1,284;10548,10678;16266,16365;17958,18082;1821
1,18341;20265,20355;25217,25301;25963,26039;27133,27241;28649,28756;29103,29191;
29649,29789;32379,32521;34035,34159;35668,35864;36206,36472

36769 179,36278 1,284;28649,28756;29103,29191;29649,29789;3237
9,32521;34035,34159;35668,35864;36206,36472

36769 179,36278 1,284;9232,9374;16266,16365;17958,18082;18211,
18341;20265,20355;25217,25301;25963,26039;27133,27241;28649,28756;29103,29191;29
649,29789;32379,32521;34035,34159;35668,35864;36206,36472

36770 5414,10360 1,169;5384,5498;6431,6943;7540,7704;10103,104
52

36771 3690,5036 1,109;3679,3870;3984,4161;4459,4561;4892,5468

36771 3690,5036 1,506;3679,3870;3984,4161;4459,4561;4892,5468

36772 3701,18753 1,146;3693,3873;7848,7985;8569,8700;14021,142
28;18513,19188

36772 3701,18753 1,146;3694,3873;7848,7985;14021,14228;18513,1
9191

36773 1,4563 1,52;1100,1207;1698,1785;3226,3351;4547,4668

36773 1129,4563 4,52;1100,1207;1698,1785;3226,3351;4547,4668

36773 302,749 49,1207;1698,2032

36774 27935,107031 1,171;1891,1980;14108,14184;15511,15652;157
90,15878;25333,25432;27930,28129;63285,63460;66975,67142;87420,87603;97032,97124
;99801,99911;102688,102757;104843,104927;106835,108572

36774 27935, 107031 1, 171; 25333, 25432; 27930, 28129; 63285, 63460; 6
6975, 67142; 87420, 87603; 97032, 97124; 99801, 99911; 102688, 102757; 104843, 104927; 10683
5, 108572

36774 27935, 107031 14107, 14184; 15511, 15652; 15790, 15878; 25333, 2
5432; 27930, 28129; 63285, 63460; 66975, 67142; 87420, 87603; 97032, 97124; 99801, 99911; 102
688, 102757; 104843, 104927; 106835, 108572

36775 23240, 98475 1, 255; 23229, 23411; 29419, 29529; 29879, 30043; 33
862, 34060; 37050, 37249; 40161, 40247; 76581, 76733; 98398, 98842

36775 23240, 98475 206, 255; 1041, 1160; 23229, 23411; 29419, 29529; 29
879, 30043; 33862, 34060; 37050, 37249; 40161, 40247; 98398, 98842

36775 23240, 98475 67, 255; 23229, 23411; 29419, 29529; 29879, 30043; 3
3862, 34060; 37050, 37249; 40161, 40247; 98398, 98842

36776 229, 8090 1, 825; 7910, 8583

36776 229, 8090 1, 825; 7910, 8584

36777 200, 226502 1, 296; 174345, 174422; 192604, 192891; 194062, 1940
92; 212645, 212772; 216727, 217041; 219008, 219253; 223420, 223622; 225056, 227561

36778 63, 121542 1, 132; 32441, 32511; 34166, 34243; 43664, 43739; 4521
7, 45260; 79605, 79675; 90025, 90109; 97365, 97446; 100239, 100313; 105248, 105334; 106577, 1
06681; 107074, 107156; 108332, 108488; 111630, 111743; 114437, 114541; 115276, 115404; 1169
52, 117047; 118688, 118769; 121529, 121755

36778 63, 121542 1, 132; 32441, 32511; 34166, 34243; 45217, 45260; 7801
9, 78198; 78319, 78373; 79605, 79675; 90025, 90109; 97365, 97446; 100239, 100313; 105248, 105
334; 106577, 106681; 107074, 107156; 108332, 108488; 111630, 111743; 114437, 114541; 115276
, 115404; 116952, 117047; 118688, 118769; 121529, 121755

36778 63, 121542 1, 132; 32441, 32511; 34166, 34243; 45217, 45260; 7831
9, 78373; 79605, 79675; 90025, 90109; 97365, 97446; 100239, 100313; 105248, 105334; 106577, 1
06681; 107074, 107156; 108332, 108488; 111630, 111743; 114437, 114541; 115276, 115404; 1169
52, 117047; 118688, 118769; 121529, 121755

36778 63, 121542 1, 132; 32441, 32511; 45217, 45260; 78019, 78198; 7831
9, 78373; 79605, 79675; 90025, 90109; 97365, 97446; 100239, 100313; 105248, 105334; 106577, 1
06681; 107074, 107156; 108332, 108488; 111630, 111743; 114437, 114541; 115276, 115404; 1169
52, 117047; 118688, 118769; 121529, 121755

36778 63, 121542 1, 132; 32441, 32511; 45217, 45260; 78319, 78373; 7960
5, 79675; 90025, 90109; 97365, 97446; 100239, 100313; 105248, 105334; 106577, 106681; 107074
, 107156; 108332, 108488; 111630, 111743; 114437, 114541; 115276, 115404; 116952, 117047; 11
8688, 118769; 121529, 121755

36778 90077, 121542 1, 132; 32441, 32511; 45217, 45260; 79605, 79675; 9
0025, 90109; 97365, 97446; 100239, 100313; 105248, 105334; 106577, 106681; 107074, 107156; 1
08332, 108488; 111630, 111743; 114437, 114541; 115276, 115404; 116952, 117047; 118688, 1187
69; 121529, 121755

36778 115, 121542 1, 132; 34166, 34243; 45217, 45260; 78019, 78198; 783
19, 78373; 79605, 79675; 90025, 90109; 97365, 97446; 100239, 100313; 105248, 105334; 106577,
106681; 107074, 107156; 108332, 108488; 111630, 111743; 114437, 114541; 115276, 115404; 116
952, 117047; 118688, 118769; 121529, 121755

36778 90077, 121542 1, 132; 34166, 34243; 45217, 45260; 78019, 78198; 7
9605, 79675; 90025, 90109; 97365, 97446; 100239, 100313; 105248, 105334; 106577, 106681; 107
074, 107156; 108332, 108488; 111630, 111743; 114437, 114541; 115276, 115404; 116952, 117047
; 118688, 118769; 121529, 121755

36778 115, 121542 1, 132; 34166, 34243; 45217, 45260; 78319, 78373; 796
05, 79675; 90025, 90109; 97365, 97446; 100239, 100313; 105248, 105334; 106577, 106681; 10707

4, 107156; 108332, 108488; 111630, 111743; 114437, 114541; 115276, 115404; 116952, 117047; 118688, 118769; 121529, 121755

36778 63, 121542 1, 132; 34166, 34243; 45217, 45260; 79605, 79675; 90025, 90109; 97365, 97446; 100239, 100313; 105248, 105334; 106577, 106681; 107074, 107156; 108332, 108488; 111630, 111743; 114437, 114541; 115276, 115404; 116952, 117047; 118688, 118769; 121529, 121755

36778 115, 121542 1, 132; 34166, 34243; 79605, 79675; 90025, 90109; 97365, 97446; 100239, 100313; 105248, 105334; 106577, 106681; 107074, 107156; 108332, 108488; 111630, 111743; 114437, 114541; 115276, 115404; 116952, 117047; 118688, 118769; 121529, 121755

36778 90077, 121542 1, 132; 45217, 45260; 70805, 70883; 78319, 78373; 79605, 79675; 90025, 90109; 97365, 97446; 100239, 100313; 105248, 105334; 106577, 106681; 107074, 107156; 108332, 108488; 111630, 111743; 114437, 114541; 115276, 115404; 116952, 117047; 118688, 118769; 121529, 121755

36778 115, 121542 1, 132; 45217, 45260; 78019, 78198; 78319, 78373; 79605, 79675; 90025, 90109; 97365, 97446; 100239, 100313; 105248, 105334; 106577, 106681; 107074, 107156; 108332, 108488; 111630, 111743; 114437, 114541; 115276, 115404; 116952, 117047; 118688, 118769; 121529, 121755

36778 115, 121542 1, 132; 45217, 45260; 78319, 78373; 79605, 79675; 90025, 90109; 97365, 97446; 100239, 100313; 105248, 105334; 106577, 106681; 107074, 107156; 108332, 108488; 111630, 111743; 114437, 114541; 115276, 115404; 116952, 117047; 118688, 118769; 121529, 121755

36778 63, 121542 1, 132; 45217, 45260; 79605, 79675; 90025, 90109; 97365, 97446; 100239, 100313; 105248, 105334; 106577, 106681; 107074, 107156; 108332, 108488; 111630, 111743; 114437, 114541; 115276, 115404; 116952, 117047; 118688, 118769; 121529, 121755

36778 79673, 121542 1, 132; 45217, 45260; 79605, 79675; 97365, 97446; 100239, 100313; 105248, 105334; 106577, 106681; 107074, 107156; 108332, 108488; 111630, 111743; 114437, 114541; 115276, 115404; 116952, 117047; 118688, 118769; 121529, 121755

36778 90077, 121542 1, 132; 78019, 78198; 78319, 78373; 79605, 79675; 90025, 90109; 97365, 97446; 100239, 100313; 105248, 105334; 106577, 106681; 107074, 107156; 108332, 108488; 111630, 111743; 114437, 114541; 115276, 115404; 116952, 117047; 118688, 118769; 121529, 121755

36778 90077, 121542 1, 132; 78319, 78373; 79605, 79675; 90025, 90109; 97365, 97446; 100239, 100313; 105248, 105334; 106577, 106681; 107074, 107156; 108332, 108488; 111630, 111743; 114437, 114541; 115276, 115404; 116952, 117047; 118688, 118769; 121529, 121755

36778 115, 121542 1, 132; 79605, 79675; 90025, 90109; 97365, 97446; 100239, 100313; 105248, 105334; 106577, 106681; 107074, 107156; 108332, 108488; 111630, 111743; 114437, 114541; 115276, 115404; 116952, 117047; 118688, 118769; 121529, 121755

36778 79673, 121542 1, 132; 79605, 79675; 97365, 97446; 100239, 100313; 105248, 105334; 106577, 106681; 107074, 107156; 108332, 108488; 111630, 111743; 114437, 114541; 115276, 115404; 116952, 117047; 118688, 118769; 121529, 121755

36778 34202, 121542 34149, 34243; 79605, 79675; 90025, 90109; 97365, 97446; 100239, 100313; 105248, 105334; 106577, 106681; 107074, 107156; 108332, 108488; 111630, 111743; 114437, 114541; 115276, 115404; 116952, 117047; 118688, 118769; 121529, 121755

36779 18, 15372 1, 57; 1916, 1964; 2869, 2942; 3068, 3146; 3970, 4069; 4152, 4277; 4478, 4538; 7437, 7524; 7601, 7684; 7951, 8186; 8296, 8395; 9361, 9453; 9741, 9843; 12872, 13125; 13214, 13308; 13397, 13500; 13610, 13683; 13918, 13988; 14088, 14182; 14262, 14346; 15250, 15800

36779 18,15372 1,57;1916,1964;2869,2942;3068,3146;3970,4069;41
52,4277;4478,4538;7437,7524;7601,7684;7951,8186;8296,8395;9361,9487;9769,9843;12
872,13125;13214,13308;13397,13500;13610,13683;13918,13988;14088,14182;14262,1434
6;15250,15800

36779 18,15372 18,57;1916,1964;2869,2942;3068,3146;3970,4069;4
152,4277;4478,4538;7437,7524;7601,7684;7951,8186;8296,8395;9361,9487;9769,9843;1
2872,13125;13214,13308;13397,13500;13610,13683;13918,13988;14088,14182;14262,143
46;15250,15579

36780 498,246202 1,794;150959,151114;161785,161906;175928,1761
60;194689,194816;204019,204120;213208,213374;233705,233835;246041,248561

36780 498,246202 30,794;150959,151114;161785,161906;175928,176
160;194689,194816;204019,204120;213208,213374;233705,233835;246041,248574

36780 498,213379 30,794;150959,151114;161785,161906;175928,176
160;194689,194816;204019,204120;213208,214051

36781 96,4561 1,255;417,464;1063,1138;1742,1795;1886,1921;4530
,4768;7721,7845;8042,8832

36781 96,8293 1,255;417,464;1063,1138;1742,1795;1886,1921;7721
,7845;8042,8832

36781 96,11776 42,255;417,464;1063,1138;1742,1795;1886,1921;77
21,7845;10567,10645;10789,10836;10992,11110;11293,11431;11667,12551

36782 38,26700 1,108;6635,6795;15640,15664;16540,16653;18102,1
8233;21034,21278;24562,24679;26099,26710

36782 38,26700 14,108;6635,6795;15640,15664;16540,16653;18102,
18233;21034,21278;24562,24679;26099,26710

36783 14,31414 1,82;180,255;3622,3746;13148,13250;13354,13455;
14495,14596;16229,16339;17212,17302;18320,18522;20800,20884;31227,31788

36783 14,31414 4,82;180,255;3622,3746;13148,13250;13354,13455;
14495,14596;16229,16339;17212,17302;18320,18522;20800,20884;31227,31782

36784 171,200791 1,444;59531,59654;75433,75581;78369,78495;828
36,82933;100657,100792;105692,105755;108118,108260;115748,115842;121712,121781;1
23250,123303;127424,127469;130581,130717;157028,157089;187134,187217;188571,1887
16;192166,192271;200723,200922

36784 75452,200791 1,444;59531,59654;75433,75581;78369,78495;8
2836,82933;100657,100792;105692,105755;108118,108260;115748,115842;121712,121781
;123250,123303;127424,127469;130581,130717;157028,157089;187134,187217;188571,18
8716;192166,192271;200723,200922

36785 301,45136 1,383;2497,2723;7942,8219;25414,25678;44906,46
062

36786 59,25159 1,138;3988,4066;8728,8811;9175,9281;22013,22102
;22409,22452;22737,22882;24667,24735;24921,25000;25080,25500

36786 59,25159 20,138;3988,4066;8728,8811;9175,9281;22013,2210
2;22409,22452;22737,22882;24667,24735;24918,25000;25080,25505

36787 645,9697 1,57;502,726;4765,5509;6220,6367;6819,6917;6999
,7188;9373,9446;9562,9771

36787 354,9697 1,726;4765,5509;6220,6367;6819,6917;6999,7188;9
373,9446;9562,9771

36787 4689,5574 27,57;502,726;4126,5671

36787 4716,9322 4717,5509;6819,6917;9225,9333;9562,9771

36788 262,1564 1,52;263,323;477,648;758,1023;1151,1314;1400,18
77

36788	262,1564	262,323;477,648;758,1023;1151,1314;1400,1877
36788	262,1564	263,323;477,648;758,1023;1151,1314;1400,1877
36789	0,13520	1,697;880,1209;2398,2606;5136,5201;5555,5660;991
		7,9999;13410,13877
36789	0,13520	1,697;880,1209;2398,2606;5136,5201;5555,5660;991
		7,9999;13410,17317
36790	287,127056	1,303;91083,91149;102158,102206;102803,102916
		;104616,104735;105573,105689;106352,106403;108817,108944;110204,110281;111873,11
		2012;121418,121463;126979,128634
36790	87774,127056	87732,87978;91079,91149;102158,102206;10280
		3,102916;104616,104735;105573,105689;106352,106403;108817,108944;110204,110281;1
		11873,112012;121418,121463;126979,128634
36790	102838,127056	87732,87981;91081,91149;102158,102206;1028
		03,102916;104616,104735;105573,105689;106352,106403;108817,108944;110204,110281;
		111873,112012;121418,121463;126979,128634
36791	445,88562	1,610;1393,1481;10859,11027;13499,13679;15922,
		16088;22578,22758;24457,24518;25742,25942;29463,29565;37649,37770;38017,38370;42
		159,42296;44492,44621;46041,46186;47004,47116;48426,48642;51887,52005;52650,5278
		2;53339,53510;60636,60819;64672,64853;65168,65300;70390,70477;71597,71684;72415,
		72572;73405,73481;73755,73856;81876,81962;83807,83912;85812,85913;87534,87650;88
		437,89826
36791	445,88562	433,610;1393,1481;10859,11027;13499,13679;1592
		2,16088;22578,22758;24457,24518;25742,25942;29463,29565;37649,37770;38017,38190;
		38248,38370;42159,42296;44492,44621;46041,46186;47004,47116;48426,48642;51887,52
		005;52650,52782;53339,53510;60636,60819;64672,64853;65168,65300;70390,70477;7159
		7,71684;72415,72572;73405,73481;81876,81962;83807,83912;85812,85913;87534,87650;
		88437,89552
36791	445,51886	433,610;1393,1481;10859,11027;13499,13679;1592
		2,16088;22578,22758;24457,24518;25742,25942;29463,29565;37649,37770;38017,38370;
		42159,42296;44492,44621;46041,46186;47004,47116;48426,48642;51884,52005;52650,52
		782;53339,53510;60636,60819;64672,64853;65168,65300;70390,70477;71597,71684;7241
		5,72572;73405,73481;73755,73856;81876,81962;83807,83912;85812,85913;87534,87650;
		88437,89552
36791	445,88562	433,610;1393,1481;10859,11027;13499,13679;1592
		2,16088;22578,22758;24457,24518;25742,25942;29463,29565;37649,37770;38017,38370;
		42159,42296;44492,44621;46041,46186;47004,47116;48426,48642;51887,52005;52650,52
		782;53339,53510;60636,60819;64672,64853;65168,65300;70390,70477;71597,71684;7241
		5,72572;73405,73481;73755,73856;81876,81962;83807,83912;85812,85913;87534,87650;
		88437,89552
36791	72441,88562	71614,71684;72415,72453;72458,72484;72489,72
		572;73405,73481;81876,81962;83807,83912;85812,85913;87534,87650;88437,89389
36792	498,65783	1,615;21340,21467;26526,26622;34661,34758;3649
		1,36630;48916,48974;50954,51036;52361,52448;56021,56089;57935,58087;60121,60240;
		62319,62422;65654,66283
36792	498,65783	1,62;76,615;21340,21467;26526,26622;34661,3475
		8;36491,36630;48916,48974;50954,51036;52361,52448;56021,56089;57935,58087;60121,
		60240;62319,62422;65654,66056;66072,66283
36793	78,18851	1,134;7992,8026;8918,9049;10861,11065;11643,117
		86;11898,11962;14141,14296;14629,14725;18845,18881;19530,19668
36793	78,19533	1,134;7992,8026;8918,9049;10861,11065;11643,117

86;11898,11962;14141,14296;14629,14725;19530,19663
36793 78,19533 1,134;7992,8026;8918,9049;10861,11065;11643,117
86;11898,11962;14141,14296;14629,14725;19530,19668
36793 78,18851 1,134;7992,8026;8918,9049;10861,11065;11643,118
19;11898,11962;14141,14296;14629,14725;18845,18881;19529,19663
36793 78,19533 1,134;7992,8026;8918,9049;10861,11065;11643,118
19;11898,11962;14141,14296;14629,14725;19530,19663
36794 127,28828 1,315;2498,2624;4494,4629;8790,8872;12268,1234
4;12690,12782;15890,15976;19858,19917;28723,29155
36795 526,118006 1,85;439,539;41883,42020;56650,56833;58747,58
859;65439,65565;69157,69250;75390,75477;89080,89138;91660,91731;98190,98319;1033
12,103446;104913,104977;106213,106360;108246,108275;108878,108936;109790,109850;
110632,110639;111188,111268;117977,118006
36795 526,116835 1,85;440,539;41883,42020;56650,56833;58747,58
859;65439,65565;69157,69250;75390,75477;89080,89138;91660,91731;95879,96034;9767
9,97708;98190,98319;99107,99205;100922,100969;103312,103446;104913,104977;106213
,106360;108246,108275;108878,108936;109790,109850;110632,110639;111188,111268;11
6722,118867
36795 29190,116835 29191,29204;41860,42020;56650,56833;58747,5
8859;65439,65565;69157,69250;75390,75477;89080,89138;91660,91731;95879,96034;976
79,97708;98190,98319;99107,99205;100922,100969;103312,103446;104913,104977;10621
3,106360;108246,108275;108878,108936;109790,109850;110632,110639;111188,111268;1
16722,118867
36796 262660,391429 100042,100222;186151,186276;262659,262727;
272645,272725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325
014;327475,327599;334277,334360;354980,355067;358515,358612;364969,365082;370650
,370746;381923,382082;384403,384492;386235,386403;388753,388885;391412,391460;39
4449,398085
36796 262660,391429 1,198;186151,186276;262659,262727;272645,2
72725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325014;3274
75,327599;334277,334360;344778,344855;345429,345521;354980,355067;358515,358612;
364969,365082;370650,370746;381923,382082;384403,384492;386235,386403;388753,388
885;391412,391460;394449,398085
36796 262660,335755 1,198;186152,186276;262660,262727;272645,2
72725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325014;3274
75,327599;331951,331959;334277,334360;335725,336012
36796 262660,372845 1,198;186152,186276;262660,262727;272645,2
72725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325014;3274
75,327599;331951,331959;334277,334360;354980,355067;358515,358612;364969,365082;
370650,370746;372795,374089
36796 262660,391429 1,198;186152,186276;262660,262727;272645,2
72725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325014;3274
75,327599;331951,331959;334277,334360;354980,355067;358515,358612;364969,365082;
370650,370746;381923,382082;384403,384492;386235,386403;388753,388885;391412,391
460;394450,398085
36796 262660,372845 216956,217129;262660,262727;272645,272725;
300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325014;327475,327
599;334277,334360;344778,344855;345429,345521;354980,355067;358515,358612;364969
,365082;370650,370746;372795,374089
36796 262660,391429 216968,217129;236146,236230;262659,262727;

272645, 272725; 300721, 300934; 312903, 312988; 318643, 318797; 322593, 322698; 324848, 325014; 327475, 327599; 334277, 334360; 344778, 344855; 345429, 345521; 354980, 355067; 358515, 358612; 364969, 365082; 370650, 370746; 381923, 382082; 384403, 384492; 386235, 386403; 388753, 388885; 391412, 391460; 394449, 398085

36796 262660, 372845 216968, 217129; 236147, 236230; 262660, 262727; 272645, 272725; 300721, 300934; 312903, 312988; 318643, 318797; 322593, 322698; 324848, 325014; 327475, 327599; 331951, 331959; 334277, 334360; 344778, 344855; 345429, 345521; 354980, 355067; 358515, 358612; 364969, 365082; 370650, 370746; 372795, 374089

36796 262660, 391429 216968, 217129; 236147, 236230; 262660, 262727; 272645, 272725; 300721, 300934; 312903, 312988; 318643, 318797; 322593, 322698; 324848, 325014; 327475, 327599; 331951, 331959; 334277, 334360; 344778, 344855; 345429, 345521; 354980, 355067; 358515, 358612; 364969, 365082; 370650, 370746; 381923, 382082; 384403, 384492; 386235, 386403; 388753, 388885; 391412, 391460; 394450, 398085

36796 262660, 372845 216968, 217129; 236147, 236230; 262660, 262727; 272645, 272725; 300721, 300934; 312903, 312988; 318643, 318797; 322593, 322698; 324848, 325014; 327475, 327599; 334277, 334360; 335725, 335755

36796 262660, 335755 262661, 262727; 272645, 272725; 300721, 300934; 312903, 312988; 318643, 318797; 322593, 322698; 324848, 325014; 327475, 327599; 334277, 334360; 335725, 335755

36796 327552, 391429 325052, 325331; 327475, 327599; 334277, 334360; 344778, 344855; 354980, 355067; 358515, 358612; 364969, 365082; 370650, 370746; 381923, 382082; 384403, 384492; 386235, 386403; 388753, 388885; 391412, 391460; 394450, 398085

36796 327552, 372845 325052, 325331; 327475, 327599; 334277, 334360; 354980, 355067; 358515, 358612; 364969, 365082; 370650, 370746; 372795, 374089

36797 39, 165685 1, 150; 62760, 63036; 102388, 102488; 104373, 104454; 105530, 105645; 112547, 112625; 123789, 123853; 125142, 125230; 148092, 148143; 148244, 148381; 165587, 167400

36798 70, 5184 1, 106; 376, 451; 877, 941; 1242, 1323; 1419, 1519; 2705, 2800; 2888, 2998; 5095, 6024

36799 203, 53872 1, 681; 15276, 15485; 20263, 20421; 23015, 23139; 40741, 40935; 43764, 43854; 44756, 44954; 46721, 46818; 51644, 51774; 53696, 54149

36800 302, 38445 1, 44; 265, 436; 9411, 9599; 11886, 12048; 12820, 12962; 16310, 16509; 23837, 24189; 35095, 35167; 38099, 39085

36801 13272, 18555 1, 53; 13266, 13433; 16947, 17045; 17746, 17875; 18463, 18961

36802 1036, 61243 1, 179; 771, 1322; 59890, 59993; 61049, 64065

36803 147, 12064 1, 207; 4654, 4870; 9495, 9749; 11844, 12567

36804 136, 81812 1, 308; 11956, 12110; 19062, 19163; 23835, 24037; 53209, 53340; 56411, 56606; 60281, 60617; 66596, 66735; 68401, 68544; 77746, 77921; 79554, 79755; 80013, 80207; 81585, 83465

36804 136, 81812 1, 308; 11956, 12110; 23835, 24037; 53209, 53340; 56411, 56606; 60281, 60617; 66596, 66735; 68401, 68544; 77746, 77921; 79554, 79755; 80013, 80207; 81585, 83464

36804 136, 81812 1, 308; 11956, 12110; 23835, 24037; 53209, 53340; 56411, 56606; 60281, 60617; 66596, 66735; 68401, 68544; 77746, 77921; 79554, 79755; 80013, 80207; 81585, 83465

36805 375, 404825 1, 466; 235264, 235335; 275650, 275937; 276645, 27675; 363339, 363466; 366079, 366396; 368375, 368620; 384951, 385162; 403398, 404994

36805 375, 404825 376, 466; 235264, 235335; 275650, 275937; 276645, 27

6675;363339,363466;366079,366396;368375,368620;384951,385162;403398,404825
 36806 588,1654 1,682;1200,1851
 36806 588,1654 534,682;1200,1852
 36807 1274,6807 1,207;1272,1487;6673,7078
 36807 1274,6807 957,1081;1272,1487;6673,7078
 36808 742,3500 1,17;612,616;702,1723;2203,2843;3110,3218;3324,
 3835
 36808 742,3500 742,1200;1203,1274;1277,1315;1318,1723;2203,284
 3;3110,3218;3324,3835
 36809 32248,36645 1,100;32210,32322;35544,39587
 36810 51,18755 1,298;3245,3378;4937,5107;7502,7620;10461,10618
 ;12560,12655;12988,13117;13311,14000;16946,17082;17242,17333;18032,18284;18688,1
 8856
 36810 19856,20801 18247,18284;18688,19510;19831,20845
 36810 19691,20801 18247,18284;18688,20845
 36810 19856,20801 20,298;3245,3378;4937,5107;7502,7620;10461,1
 0618;12560,12655;12988,13117;13311,13620;13910,14000;14562,14646;16946,17082;172
 42,17333;17783,17863;18032,18284;18688,19510;19831,20845
 36810 51,17303 20,298;3245,3378;4937,5107;7502,7620;10461,1061
 8;12560,12655;12988,13117;13311,14000;16946,17082;17242,17306;17310,17333;18031,
 18284;18687,18856
 36810 51,18755 20,298;3245,3378;4937,5107;7502,7620;10461,1061
 8;12560,12655;12988,13117;13311,14000;16946,17082;17242,17333;17783,17863;18032,
 18284;18688,18856
 36810 51,18755 20,298;3245,3378;4937,5107;7502,7620;10461,1061
 8;12560,12655;12988,13117;13311,14000;16946,17082;17242,17333;18032,18284;18688,
 18856
 36810 3276,18755 299,728;3245,3378;4937,5107;7502,7620;10461,1
 0618;12560,12655;12988,13117;13311,14000;16946,17082;17242,17333;17783,17863;180
 32,18284;18688,18856
 36810 19856,20801 7512,7620;10461,10618;12560,12655;12988,1311
 7;13311,14000;16946,17082;17242,17333;17783,17863;18032,18284;18688,19510;19831,
 20845
 36811 94608,127573 1,106;94580,94803;106732,106870;110214,1103
 65;111297,111377;112542,112691;113166,113309;113421,113519;116065,116247;117972,
 118229;119781,119900;120372,120458;124318,124441;127281,129520
 36811 94608,127573 1915,2254;94580,94803;106732,106870;110214,
 110365;111297,111377;112542,112691;113166,113309;113421,113519;116065,116247;117
 972,118229;119781,119900;120372,120458;124318,124441;126260,126355;127281,129520
 36811 94608,127573 33,106;94580,94803;106732,106870;110214,110
 365;111297,111377;112542,112691;113166,113309;113421,113519;116065,116247;117972
 ,118229;119781,119900;120372,120458;124318,124441;126260,126355;127281,129513
 36812 51,9910 1,171;4660,4715;4830,4969;5072,5196;5690,5855;68
 34,6949;7074,7209;7537,7665;7874,7984;8093,8734;9197,9303;9474,9566;9752,10241
 36812 51,9910 52,171;4660,4715;4830,4969;5072,5196;5690,5855;6
 834,6979;7074,7209;7537,7665;7874,7984;8093,8734;9197,9303;9474,9566;9752,11511
 36813 430,14166 1,183;398,481;843,1008;1582,1859;2018,2133;251
 0,2790;4406,4554;4700,4880;5312,5447;5712,5895;6318,6417;6858,7042;7709,7934;811
 1,8329;8740,8888;9118,9312;10019,10249;10602,10691;11141,11307;11920,12173;12868
 ,13037;13227,13400;14089,14408

36813 430,14166 1,183;398,481;843,1008;1582,1859;2018,2133;259
 1,2790;4406,4554;4700,4880;5312,5447;5712,5895;6318,6417;6858,7042;7709,7934;811
 1,8329;8740,8888;9118,9312;10019,10249;10602,10691;11141,11307;11920,12173;12868
 ,13037;13227,13400;14089,14408
 36813 430,14166 3,183;398,481;843,1008;1582,1859;2018,2133;251
 0,2790;4406,4554;4700,4880;5312,5447;5712,5895;6318,6417;6858,7042;7709,7934;811
 1,8329;8740,8888;9118,9312;10019,10249;10602,10691;11141,11307;11920,12173;12868
 ,13037;13227,13400;14089,14408
 36813 430,14166 420,481;843,1008;1582,1859;2018,2133;2591,2790
 ;4406,4554;4700,4880;5312,5447;5712,5895;6318,6417;6858,7042;7709,7934;8111,8329
 ;8740,8888;9118,9312;10019,10249;10602,10691;11141,11307;11920,12173;12868,13037
 ;13227,13400;14089,14400
 36813 9117,13010 9118,9312;10019,10060;10066,10107;10112,10249
 ;10602,10691;11141,11307;11920,12173;12868,13010
 36814 117236,180387 1,126;117183,119657;122283,122486;134710,1
 34785;137252,137361;180205,181749
 36814 117236,180387 117237,119657;122283,122486;134710,134785;
 137252,137361;180205,181821
 36815 93,2534 1,997;2374,3890
 36816 14738,17831 1,258;14727,14817;16513,16578;16674,16744;16
 883,17007;17216,17665;17717,18503
 36816 14738,17831 14738,14817;16513,16578;16674,16744;16883,17
 007;17216,17524;17564,17830
 36817 6045,32983 1,136;5995,6264;11850,12060;13384,13591;16725
 ,16868;16985,17141;17719,17798;20995,21118;22089,22169;26598,26699;28013,28140;2
 8247,28346;32381,32500;32897,33167
 36817 6045,22262 1,136;5995,6264;11850,12060;13384,13591;16725
 ,16868;16985,17141;17719,17798;20995,21118;22089,22327
 36818 806,45475 10,177;665,877;4357,4433;20870,21008;24063,241
 67;24926,24988;31307,31403;32442,32517;36757,36985;38244,38362;41001,41056;41658
 ,41728;41936,42037;42151,42364;44135,44246;45414,46925
 36818 806,45475 10,177;665,877;4357,4433;20870,21008;24063,241
 67;24926,24988;31307,31403;32442,32517;36757,36985;38244,38362;41001,41056;41658
 ,41728;41936,42037;42151,42364;44135,44246;45414,46926
 36818 806,39788 1,177;668,877;4357,4433;20870,21008;24063,2416
 7;24926,24988;31307,31403;32442,32517;36757,36985;38244,38362;39763,39787
 36818 806,39788 742,877;4357,4433;20870,21008;24063,24167;2492
 6,24988;31307,31403;32442,32517;36757,36985;38244,38362;39763,40348
 36819 30,29717 1,241;8533,8666;11551,11634;15524,15724;16417,1
 6569;17166,17313;18813,18877;21035,21163;22882,22997;24549,24646;29695,30921
 36819 30,29063 30,241;8533,8666;11551,11634;15524,15724;16417,
 16569;17166,17313;18813,18877;21035,21163;22882,22997;24549,24646;28960,29076;29
 695,30921
 36820 109384,185539 109385,109550;125021,125108;131251,131382;
 137616,137702;145315,145413;148427,148537;168213,168286;170917,170994;171876,172
 004;182675,182778;185219,185680
 36820 182760,185539 109399,109550;131251,131382;137616,137702;
 145315,145413;148427,148537;168213,168286;170917,170994;171876,172004;182675,182
 778;185219,185719
 36820 25445,60191 1,184;25436,25552;37535,37615;48188,48236;49

521,49578;54674,54765;55195,55335;57971,58106;59716,60625
36820 25418,60191 25198,25552;37535,37615;48188,48236;49521,49
578;54674,54765;55195,55335;57971,58106;59716,60625
36820 25418,185539 25419,25552;37535,37615;48188,48236;49521,4
9578;54674,54765;55195,55335;57971,58106;109401,109550;125021,125108;131251,1313
82;131950,132027;135429,135443;137616,137702;145315,145413;148427,148537;168213,
168286;170917,170994;171876,172004;182675,182778;185219,185719
36820 25418,185539 25419,25552;37535,37615;48188,48236;49521,4
9578;54674,54765;55195,55335;57971,58106;109401,109550;125021,125108;137616,1377
02;145315,145413;148427,148537;168213,168286;170917,170994;171876,172004;182675,
182778;185219,185660
36820 49541,185539 37533,37615;48188,48236;49521,49578;109401,
109550;125021,125108;131251,131382;137616,137702;145315,145413;148427,148537;168
213,168286;170917,170994;171876,172004;182675,182778;185219,185726
36820 49541,132244 48190,48236;49520,49578;109401,109550;12502
1,125108;131251,131382;131950,132745
36820 54654,60191 53828,54765;55195,55335;57971,58106;59716,60
625
36820 182760,185539 75536,75571;109401,109550;131251,131382;13
7616,137702;145315,145413;148427,148537;168213,168286;170917,170994;171876,17200
4;182675,182778;185219,185726
36821 68,31250 1,113;13760,14101;25359,25610;26008,26145;26768
,26800;28470,28567;29526,29588;31184,31260
36821 68,31250 32,113;13760,14101;25359,25610;26008,26127;2847
0,28567;29526,29588;31184,33500
36821 68,29585 44,113;13760,14101;25359,25610;26008,26127;2952
6,29588;31184,33501
36822 53,366668 1,238;18686,18813;21033,21139;29163,29286;4218
0,42247;50857,50986;53679,53764;56238,56306;61442,61579;65183,65288;66939,67033;
71200,71290;73705,73750;80993,81147;90104,90264;176866,177015;201393,201469;2315
44,231694;280391,280477;284583,284662;289409,289498;291605,291713;298141,298248;
325071,325196;327581,327700;332656,332757;351502,351621;366570,367125
36822 53,366668 1,238;18686,18813;21033,21139;29163,29286;4218
0,42247;50857,50986;53679,53764;56238,56306;61442,61579;65183,65288;66939,67033;
71200,71290;73705,73750;80993,81147;90104,90264;176866,177015;201393,201469;2315
44,231694;280391,280477;284583,284662;289409,289498;291605,291713;298141,298248;
325071,325196;327581,327700;332656,332757;351502,351621;366570,367469
36823 158,23087 1,394;5602,5797;7498,7591;13234,13341;18349,18
458;22890,23404
36824 150807,154798 1,177;62870,62943;96365,96478;138468,13856
3;144286,144436;150665,150810;151712,151863;152659,152770;153231,153383;154132,1
54270;154547,154672;154761,154936
36824 150807,154798 1,204;6152,6259;62870,62943;96365,96478;13
8468,138563;144286,144436;150665,150810;151712,151863;152659,152770;153231,15338
3;154132,154270;154547,154672;154761,154936
36824 150807,154798 1,204;62870,62943;96365,96478;138468,13856
3;144286,144436;150665,150810;151712,151863;152659,152770;153231,153383;154132,1
54270;154547,154672;154761,154936
36824 131402,144391 131342,131416;138468,138563;144286,144436;
145149,145173

36824 131402, 144391 131342, 131416; 138468, 138563; 144286, 144436;
 150665, 150810; 151712, 151863; 152659, 152770; 153231, 153383; 154132, 154270; 154547, 154
 672; 154761, 154936
 36824 150807, 154798 131342, 131416; 138468, 138563; 144286, 144436;
 150665, 150810; 151712, 151863; 152659, 152770; 153231, 153383; 154132, 154270; 154547, 154
 672; 154761, 154936
 36824 131402, 144391 131388, 131416; 138468, 138563; 144286, 144436;
 155890, 155996; 156301, 156438; 158129, 158791; 175324, 175382
 36824 154134, 156409 131388, 131416; 138468, 138563; 154132, 154270;
 154547, 154672; 156301, 156395; 156398, 156438; 175324, 175382
 36824 150807, 154798 32905, 33070; 62870, 62943; 96365, 96478; 138468
 , 138563; 144286, 144436; 150665, 150810; 151712, 151863; 152659, 152770; 153231, 153383; 15
 4132, 154270; 154547, 154672; 154761, 154936
 36825 5112, 12584 1, 161; 2278, 2450; 5025, 5212; 6620, 6790; 7275, 7445
 ; 8089, 8259; 8341, 8511; 8647, 8817; 9133, 9303; 12221, 12391; 12496, 12761
 36825 5112, 12584 1, 161; 2278, 2450; 5025, 5212; 6620, 6790; 7275, 7445
 ; 8089, 8259; 8341, 8511; 8647, 8817; 9133, 9303; 12221, 12391; 12496, 12762
 36825 5112, 12584 1, 161; 2278, 2450; 5093, 5212; 6620, 6790; 7275, 7445
 ; 8089, 8259; 8341, 8511; 8647, 8817; 9133, 9303; 12221, 12391; 12496, 12762
 36825 5112, 12584 1, 161; 5025, 5212; 6620, 6790; 7275, 7445; 8089, 8259
 ; 8341, 8511; 8647, 8817; 9133, 9303; 12221, 12391; 12496, 12761
 36825 5112, 12584 1, 161; 5025, 5212; 6620, 6790; 7275, 7445; 8089, 8259
 ; 8341, 8511; 8647, 8817; 9133, 9303; 12221, 12391; 12496, 12762
 36825 5112, 12584 1, 161; 5093, 5212; 6620, 6790; 7275, 7445; 8089, 8259
 ; 8341, 8511; 8647, 8817; 9133, 9303; 12221, 12391; 12496, 12762
 36825 5112, 12584 453, 665; 2278, 2450; 5025, 5212; 6620, 6790; 7275, 74
 45; 8089, 8259; 8341, 8511; 8647, 8817; 9133, 9303; 12221, 12391; 12496, 12761
 36825 5112, 12584 453, 665; 2278, 2450; 5025, 5212; 6620, 6790; 7275, 74
 45; 8089, 8259; 8341, 8511; 8647, 8817; 9133, 9303; 12221, 12391; 12496, 12762
 36825 5112, 12584 453, 665; 2278, 2450; 5093, 5212; 6620, 6790; 7275, 74
 45; 8089, 8259; 8341, 8511; 8647, 8817; 9133, 9303; 12221, 12391; 12496, 12762
 36825 5112, 12584 453, 665; 5025, 5212; 6620, 6790; 7275, 7445; 8089, 82
 59; 8341, 8511; 8647, 8817; 9133, 9303; 12221, 12391; 12496, 12762
 36825 5112, 12584 453, 665; 5093, 5212; 6620, 6790; 7275, 7445; 8089, 82
 59; 8341, 8511; 8647, 8817; 9133, 9303; 12221, 12391; 12496, 12762
 36826 1978, 19270 1, 13; 1802, 2047; 3201, 3259; 14415, 14541; 14834, 14
 929; 17570, 22182
 36827 78, 13533 1, 159; 2084, 2231; 3216, 3294; 7554, 7600; 8246, 8348; 8
 963, 9042; 9455, 9530; 10196, 10289; 13474, 13744
 36827 78, 13533 1, 159; 2084, 2231; 3216, 3294; 7554, 7600; 8246, 8348; 8
 963, 9042; 9455, 9530; 10196, 10289; 13474, 13746
 36827 78, 9461 73, 159; 2084, 2231; 3216, 3294; 7554, 7600; 8246, 8348; 9
 455, 9530; 10195, 10289; 13473, 13547
 36828 8547, 334217 1, 244; 5042, 5223; 8520, 8590; 10505, 10750; 13939,
 14314; 334151, 334217
 36828 312983, 314186 312318, 312335; 312950, 314771
 36828 312983, 314186 312513, 312571; 312950, 314761
 36829 130, 85853 1, 393; 15646, 15804; 19547, 19726; 22613, 22802; 3734
 9, 37505; 38929, 39070; 42661, 42803; 74059, 74266; 85736, 85866; 87207, 87625
 36829 130, 85853 1, 393; 15646, 15804; 19547, 19726; 22613, 22802; 3734

9,37505;38929,39070;42661,42803;74059,74266;85736,85870;87210,87625
 36830 42,10595 1,187;2330,2588;10595,10728;17258,17389;28145,2
 8211;31439,31499;39883,39943;41517,41724
 36830 42,41621 1,187;2330,2588;4092,4258;10595,10728;17258,173
 89;28145,28211;31439,31499;39883,39943;41517,41728
 36830 42,2592 1,187;2330,2733
 36831 225,371979 1,313;19686,19750;102337,102997;233393,233548
 ;234232,234567;288314,288438;291795,291957;299746,299848;300544,300608;305618,30
 5743;311682,311867;321583,321644;323627,323836;341702,341851;342654,342847;36494
 1,365096;371874,374609
 36831 225,291983 139,313;19686,19750;102337,102997;233393,2335
 48;234232,234567;288314,288438;291795,292822
 36832 35288,59879 1,167;15790,15906;35179,35388;38610,38721;43
 905,44006;44534,44584;46059,46118;48037,48120;51475,51585;53958,54059;55061,5516
 1;56264,56412;57377,57463;59763,61143
 36832 35288,59879 1,167;15790,15906;35179,35388;38610,38721;43
 905,44006;44534,44584;46059,46118;48037,48120;51475,51585;53958,54059;55061,5516
 1;56264,56412;57377,57463;59763,61145
 36832 35288,59879 1,167;35179,35388;38610,38721;43905,44006;44
 534,44584;46059,46118;48037,48120;51475,51585;53958,54059;55061,55161;56264,5641
 2;57377,57463;59763,61143
 36832 35288,59879 1,167;35179,35388;38610,38721;43905,44006;44
 534,44584;46059,46118;48037,48120;51475,51585;53958,54059;55061,55161;56264,5641
 2;57377,57463;59763,61145
 36832 46101,59879 1,167;38610,38721;43905,44006;44534,44584;46
 059,46118;48037,48120;51475,51585;53958,54059;55061,55161;56264,56412;57377,5746
 3;59763,61143
 36832 46101,59879 1,167;38610,38721;43905,44006;44534,44584;46
 059,46118;48037,48120;51475,51585;53958,54059;55061,55161;56264,56412;57377,5746
 3;59763,61145
 36833 846,8216 1,116;798,972;1058,1167;1622,1875;2528,2658;510
 3,5239;7943,8240;9104,9454
 36833 846,9284 1,116;798,972;1058,1167;1622,1875;2528,2658;510
 3,5239;9104,9454
 36833 846,8216 80,116;798,972;1058,1167;1622,1875;2528,2658;51
 03,5239;7943,8216
 36834 387,228117 1,750;69511,69574;121397,121547;123978,124012
 ;127450,127538;129128,129257;131512,131639;135462,135605;135792,135965;163788,16
 3942;207361,207499;208693,208881;226029,226172;227971,229258
 36834 387,228117 83,750;69511,69574;121397,121547;123978,12401
 2;127450,127538;129128,129257;131512,131639;135462,135605;135792,135965;163788,1
 63942;207361,207499;208693,208881;226029,226172;227971,229264
 36835 106,2174 1,141;732,803;1056,1173;1292,1354;1785,1944;204
 4,2548
 36836 152,8261 1,276;365,494;3360,3418;4468,4579;4697,4726;501
 5,5062;5462,5576;5780,5851;5967,6046;6130,6208;6291,6464;8181,8759
 36837 1882,2293 12,656
 36837 1882,2293 18,732,345
 36838 3646,36571 1,269;3554,3809;28349,28500;28795,28917;31058
 ,31151;36456,37899

36838 3646,36571 15,269;3554,3809;28349,28500;28795,28917;3105
 8,31151;36456,37899
 36839 359,2831 1,512;1821,5642
 36840 141,21458 1,255;1339,1464;14297,14430;16875,16992;18181,
 18251;18510,18585;19527,19589;19888,19957;21376,21502;23208,23404
 36840 1374,28473 1375,1464;14297,14430;16875,16992;18181,18251
 ;18510,18585;19527,19589;19888,19957;28402,28409;28414,28473
 36840 5761,27255 5751,6019;14297,14430;16875,16992;18181,18251
 ;19025,19100;19527,19589;19888,19957;27182,27943
 36840 5995,28484 5996,6019;14297,14430;16875,16992;18181,18251
 ;18510,18585;19527,19589;19888,19957;28402,28633;29208,29224
 36840 141,28484 63,255;1339,1464;14297,14430;16875,16992;18181
 ,18251;18510,18585;19527,19589;19888,19957;28402,29224
 36840 69,28484 70,255;1018,1143;14297,14430;16875,16992;18181,
 18251;19025,19100;19527,19589;19888,19957;28402,29217
 36841 141,21458 1,255;1339,1464;14297,14430;16875,16992;18181,
 18251;18510,18585;19527,19589;19888,19957;21376,21502;23208,23404
 36841 1374,28473 1375,1464;14297,14430;16875,16992;18181,18251
 ;18510,18585;19527,19589;19888,19957;28402,28409;28414,28473
 36841 5761,27255 5751,6019;14297,14430;16875,16992;18181,18251
 ;19025,19100;19527,19589;19888,19957;27182,27943
 36841 5995,28484 5996,6019;14297,14430;16875,16992;18181,18251
 ;18510,18585;19527,19589;19888,19957;28402,28633;29208,29224
 36841 141,28484 63,255;1339,1464;14297,14430;16875,16992;18181
 ,18251;18510,18585;19527,19589;19888,19957;28402,29224
 36841 69,28484 70,255;1018,1143;14297,14430;16875,16992;18181,
 18251;19025,19100;19527,19589;19888,19957;28402,29217
 36842 12100,13405 1,81;12086,12223;12319,12411;12580,12778;132
 87,14268
 36843 45405,76572 1,218;45405,45512;51070,51237;52080,52274;53
 835,53946;54301,54414;65535,65720;69020,69135;76419,77943
 36843 45405,76572 50,218;45405,45512;51070,51237;52080,52274;5
 3835,53946;54301,54414;65535,65720;69020,69135;76419,77945
 36843 45405,69184 50,218;45405,45512;51070,51237;52080,52274;5
 3835,53946;54301,54414;65535,65720;69020,69321
 36843 45405,76572 50,218;45405,45512;51070,51237;52080,52274;5
 3835,53982;54301,54414;65535,65720;69020,69135;76419,77945
 36843 45405,69184 50,218;45405,45512;51070,51237;52080,52274;5
 3835,53982;54301,54414;65535,65720;69020,69321
 36843 45405,69184 5,218;8808,8831;45405,45512;51070,51237;5208
 0,52274;53835,53946;54301,54414;65535,65720;69020,69317
 36844 24,4458 1,83;154,284;443,551;681,768;1059,1146;1710,1816
 ;1891,2056;2164,2189;2693,2822;2912,2959;3059,3151;3232,3332;3688,3795;3872,3941
 ;4019,4111;4274,4667
 36844 24,4458 1,83;154,284;443,551;681,768;1059,1146;1710,1816
 ;1891,2056;2164,2189;2693,2822;2912,2962;3059,3151;3232,3332;3688,3795;3872,3941
 ;4019,4111;4274,4667
 36845 177,23767 1,363;6237,6283;18493,18610;18822,18933;20008,
 20061;23595,24085
 36845 177,23767 1,363;6237,6283;18493,18610;18822,18933;23595,

24085		
36846	397,21454	1,496;16684,16794;17564,17608;20843,20930;2125
2,28350		
36846	397,21454	1,496;16684,16794;17564,17608;20846,20930;2125
2,28350		
36846	400,21400	232,251;339,496;16684,16794;17564,17608;20843,
20930;21252,21911		
36846	400,21400	401,496;16684,16794;17564,17608;20843,20930;21
252,21662;24071,24206		
36847	397,21454	1,496;16684,16794;17564,17608;20843,20930;2125
2,28350		
36847	397,21454	1,496;16684,16794;17564,17608;20846,20930;2125
2,28350		
36847	400,21400	232,251;339,496;16684,16794;17564,17608;20843,
20930;21252,21911		
36847	400,21400	401,496;16684,16794;17564,17608;20843,20930;21
252,21662;24071,24206		
36848	14701,20508	1,428;10036,10194;14694,14978;15905,16020;16
566,16733;18262,18684;20374,20508		
36848	14713,54934	14714,14978;15905,16020;16566,16733;18262,18
684;20374,20562;32557,32724;51712,52131;53566,53757;54854,54934		
36848	14713,54934	9950,10194;14694,14978;15905,16020;16566,167
33;18262,18684;20374,20562;32557,32724;49465,49632;51712,52131;53566,53757;54854		
,55181		
36848	14713,54934	9951,10194;14694,14978;15905,16020;16566,167
33;18262,18684;20374,20562;32557,32724;45330,45497;49465,49632;51712,52131;53566		
,53757;54854,55181		
36848	14713,54934	9951,10194;14694,14978;15905,16020;16566,167
33;18262,18684;20374,20562;32557,32724;49465,49632;51712,52131;53566,53757;54854		
,55181		
36849	301,18149	174,403;1145,1281;1948,2125;4399,4487;7129,732
9;8920,9090;14996,15122;18123,18303		
36849	301,22691	186,403;1145,1281;1948,2125;4399,4487;7129,732
9;8920,9090;14996,15122;18338,18511;22218,26664		
36849	301,22691	1,92;106,149;159,403;1145,1281;1948,2125;4399,
4487;7129,7329;8920,9090;14996,15122;18338,18511;22218,23209		
36849	301,13829	226,403;1145,1281;1948,2125;4399,4487;7129,732
9;8920,9090;13769,13898;14996,15122;18123,18304		
36850	70,6807	1,181;2121,2201;3714,4120;5617,5852;5953,6088;67
38,7768		
36850	70,6807	1,181;2121,2201;3714,4120;5677,5852;5953,6088;67
38,7768		
36851	70,6807	1,181;2121,2201;3714,4120;5617,5852;5953,6088;67
38,7768		
36851	70,6807	1,181;2121,2201;3714,4120;5677,5852;5953,6088;67
38,7768		
36852	175,628	1,763
36853	114,5026	1,1285;4863,5764
36854	63186,63930	1027,1404;63165,66853
36854	63186,63930	1072,1404;63165,66853

36854	336,63930	1,338;63165,66853
36854	63186,63930	20144,20453;63165,66853
36854	63186,63930	2104,2239;63165,66857
36854	63186,63930	21321,21586;63165,66853
36854	22345,63930	22117,22368;63165,66853
36854	336,63930	22,338;63165,66853
36854	63186,63930	22,338;63165,66853
36854	63186,63930	23963,24272;62522,66853
36855	11397,27993	1,214;11373,11491;14498,14579;15692,15865;16408,16498;17552,17654;18176,18356;19341,19439;24681,24783;26265,26393;26966,27084;27720,30639
36855	11397,27993	1,214;11373,11491;14498,14579;15692,15865;16408,16498;17552,17654;18176,18356;24681,24783;26265,26393;26966,27084;27720,30639
36855	11397,27993	288,403;11373,11491;14498,14579;15692,15865;16408,16498;17552,17654;18176,18356;19341,19439;24681,24783;26265,26393;26966,27084;27720,30639
36856	181657,309271	110090,110193;110583,110681;110859,110957;119502,119600;125711,125896;127774,127872;154945,155043;176221,176319;181498,181695;183841,183939;186631,186729;189504,189602;191194,191391;193106,193204;193488,193586;202819,203016;208304,208402;216545,216643;216733,216831;217328,217423;222835,222907;250644,250767;255373,255460;275400,275506;280677,280901;283672,283826;301373,301584;302847,303054;304478,304574;304901,305129;306114,306239;306994,307116;309113,309220;309223,309270
36856	193,347041	1,306;110092,110193;110583,110681;110859,110957;119502,119600;125711,125896;127774,127872;154945,155043;176221,176319;181498,181695;183841,183939;186631,186729;189504,189602;191194,191391;193106,193204;193488,193586;202819,203016;208304,208402;216545,216643;216733,216831;217328,217423;222835,222907;223078,223140;250644,250767;255358,255460;275400,275506;280677,280901;283672,283826;301373,301584;302847,303054;304478,304574;304901,305129;306114,306239;306994,307116;307555,307581;309113,309194;313283,321094;321722,321796;325443,325574;326477,326620;330301,330391;333695,334073;346972,347059;359905,361330
36856	249364,347041	248743,249379;250644,250767;255358,255460;275400,275506;280677,280901;283672,283826;301373,301584;302847,303054;304478,304574;304901,305129;306114,306239;306994,307116;309113,309194;321722,321796;325443,325574;326477,326620;329725,330033;330301,330391;333695,334073;346972,347059;359904,361330
36856	249364,347041	248743,249379;250644,250767;255358,255460;275400,275506;280677,280901;283672,283826;301373,301584;302847,303054;304478,304574;304901,305129;306114,306239;306994,307116;309113,309194;321722,321796;325443,325574;326477,326620;329725,330033;330301,330391;333695,334073;346972,347059;359905,361330
36857	240,95119	1,331;54128,54268;71010,71102;73905,74019;75608,75650;77230,77328;81765,81949;83468,83575;85562,85684;86130,86324;92599,92733;94873,96819
36857	240,95119	1,331;54128,54268;71010,71102;73905,74019;75608,75650;77230,77328;81765,81949;83468,83575;85562,85684;86130,86324;92599,92733;94873,96821
36858	104859,105246	104,860,105,246

36858 67916, 129759 1, 223; 67900, 68049; 77438, 77524; 79964, 80050; 8
3954, 84019; 88758, 89510; 92620, 92675; 95458, 95655; 97040, 97166; 101979, 102244; 115890,
115982; 119823, 119904; 124208, 124320; 129544, 130988
36858 67916, 129759 1, 223; 67900, 68049; 77438, 77524; 79964, 80050; 8
3954, 84019; 92620, 92675; 97040, 97166; 101979, 102244; 115890, 115982; 119823, 119904; 124
208, 124320; 129544, 130988
36858 67916, 129759 1, 223; 67900, 68049; 83954, 84019; 92620, 92675; 9
7040, 97166; 101979, 102244; 115890, 115982; 119823, 119904; 124208, 124320; 129544, 130988
36858 67916, 129759 1, 223; 67900, 68049; 83954, 84019; 92620, 92675; 9
7040, 97166; 101979, 102244; 119823, 119904; 124208, 124320; 129544, 130988
36858 1906, 2311 15, 674, 030
36858 64418, 129759 64419, 64437; 83954, 84019; 92620, 92675; 97040, 9
7166; 101979, 102244; 119823, 119904; 124208, 124320; 129544, 130988
36858 67916, 129759 67897, 68049; 77438, 77524; 79964, 80050; 83954, 8
4019; 88758, 89510; 92620, 92675; 95458, 95655; 97040, 97166; 101979, 102244; 115890, 115982
; 119823, 119904; 124208, 124320; 129544, 130988
36858 67916, 129759 67897, 68049; 77438, 77524; 79964, 80050; 83954, 8
4019; 92620, 92675; 97040, 97166; 101979, 102244; 115890, 115982; 119823, 119904; 124208, 12
4320; 129544, 130988
36858 67916, 129759 67897, 68049; 83954, 84019; 92620, 92675; 97040, 9
7166; 101979, 102244; 115890, 115982; 119823, 119904; 124208, 124320; 129544, 130988
36858 67916, 129759 67897, 68049; 83954, 84019; 92620, 92675; 97040, 9
7166; 101979, 102244; 119823, 119904; 124208, 124320; 129544, 130988
36858 67916, 129759 67917, 68049; 77438, 77524; 79964, 80050; 83954, 8
4019; 92620, 92675; 97040, 97166; 101979, 102244; 119823, 119904; 124208, 124320; 129544, 12
9759
36858 67916, 129759 67917, 68049; 77438, 77524; 83954, 84019; 92620, 9
2675; 97040, 97166; 101979, 102244; 115890, 115982; 119823, 119904; 124208, 124320; 129544,
129759
36859 71142, 184744 1, 136; 71140, 73312; 162427, 162579; 175523, 1770
94; 184737, 185638
36859 71142, 184744 1, 136; 71141, 73312; 162427, 162579; 175523, 1770
94; 184737, 185638
36860 110144, 124763 109991, 110226; 123652, 126276
36860 0, 837141 1, 41; 836428, 836716; 836722, 836928; 836931, 837083;
837085, 837141
36861 382, 499635 1, 105; 382, 576; 172016, 172063; 234092, 234206; 321
812, 321935; 345311, 345425; 442266, 442385; 479826, 480047; 492496, 492558; 496951, 497088
; 499465, 500370
36861 382, 499635 6, 105; 382, 570; 171905, 171913; 172018, 172063; 234
092, 234206; 321812, 321935; 345311, 345425; 442266, 442385; 479826, 480047; 492496, 492558
; 496951, 497088; 499465, 501114
36861 382, 499635 61, 105; 382, 570; 172018, 172063; 234092, 234206; 32
1812, 321935; 345311, 345425; 442266, 442385; 479826, 480047; 492496, 492558; 496951, 49708
8; 499465, 501168
36862 382, 499635 1, 105; 382, 576; 172016, 172063; 234092, 234206; 321
812, 321935; 345311, 345425; 442266, 442385; 479826, 480047; 492496, 492558; 496951, 497088
; 499465, 500370
36862 382, 499635 6, 105; 382, 570; 171905, 171913; 172018, 172063; 234
092, 234206; 321812, 321935; 345311, 345425; 442266, 442385; 479826, 480047; 492496, 492558

;496951,497088;499465,501114

36862 382,499635 61,105;382,570;172018,172063;234092,234206;32
1812,321935;345311,345425;442266,442385;479826,480047;492496,492558;496951,49708
8;499465,501168

36863 1,10966 1,37;2593,2646;3208,3309;4631,4786;4917,4980;664
8,6790;7475,7562;7643,7758;8814,8964;9326,9447;10883,11168

36863 1,10966 1,37;3208,3309;4631,4786;4917,4980;6648,6790;747
5,7562;7643,7758;8814,8964;9326,9447;10883,11168

36863 2956,10966 2957,2974;3208,3309;4631,4786;4917,4980;6648,
6790;7475,7562;7643,7758;8814,8964;9326,9447;10883,11168

36863 31,10966 7,37;2593,2646;3208,3309;4631,4786;4917,4980;66
48,6790;7475,7562;7643,7758;8814,8964;9326,9447;10883,11168

36863 2956,10966 7,37;2593,2650;2860,2974;3208,3309;4631,4786;
4917,4980;6648,6790;7475,7562;7643,7758;8814,8964;9326,9447;10883,11168

36863 31,10966 7,37;3208,3309;4631,4786;4917,4980;6648,6790;74
75,7562;7643,7758;8814,8964;9326,9447;10883,11168

36864 2462,8182 1,100;1681,1747;2456,2536;2872,2913;3280,3385;
3595,3715;3898,3960;4933,4993;5195,5281;5801,5857;6035,6138;6617,6661;6963,7014;
7273,7320;7538,7573;7739,7790;8015,9013

36864 2462,8182 1,100;1681,1747;2456,2536;3280,3385;3595,3715;
3898,3960;4933,4993;5195,5281;5801,5857;6035,6138;6617,6661;6963,7014;7273,7320;
7538,7573;7739,7790;8015,9013

36864 2462,8182 1,100;2456,2536;2872,2913;3280,3385;3595,3715;
3898,3960;4933,4993;5195,5281;5801,5857;6035,6138;6617,6661;6963,7014;7273,7320;
7538,7573;7739,7790;8015,9013

36864 2462,8182 1,100;2456,2536;3280,3385;3595,3715;3898,3960;
4933,4993;5195,5281;5801,5857;6035,6138;6617,6661;6963,7014;7273,7320;7538,7573;
7739,7790;8015,9013

36864 2450,8182 2450,2536;3280,3385;3595,3715;3898,3960;4933,4
993;5801,5857;6035,6138;6617,6661;6963,7014;7273,7320;7538,7573;7739,7790;8015,8
966

36864 2466,8182 2466,2528;2534,2536;3280,3385;3595,3715;3898,3
960;4933,4993;5195,5281;5801,5857;6035,6138;6617,6661;6963,7014;7273,7320;7538,7
573;7739,7790;8015,9013

36864 2462,8182 672,748;1681,1747;2456,2536;2872,2913;3280,338
5;3595,3715;3898,3960;4933,4993;5195,5281;5801,5857;6035,6138;6617,6661;6963,701
4;7273,7320;7538,7573;7739,7790;8015,9013

36864 2462,8182 672,748;1681,1747;2456,2536;3280,3385;3595,371
5;3898,3960;4933,4993;5195,5281;5801,5857;6035,6138;6617,6661;6963,7014;7273,732
0;7538,7573;7739,7790;8015,9013

36864 2462,8182 672,748;2456,2536;2872,2913;3280,3385;3595,371
5;3898,3960;4933,4993;5195,5281;5801,5857;6035,6138;6617,6661;6963,7014;7273,732
0;7538,7573;7739,7790;8015,9013

36864 2462,8182 672,748;2456,2536;3280,3385;3595,3715;3898,396
0;4933,4993;5195,5281;5801,5857;6035,6138;6617,6661;6963,7014;7273,7320;7538,757
3;7739,7790;8015,9013

36865 120,53092 1,174;23594,23664;47457,47677;48723,49000;4970
4,49968;52863,53866

36865 23590,53092 23591,23664;47457,47677;48723,49000;49704,49
968;52863,53866

36865	41845,53092	41827,42027;47457,47677;48723,49000;49704,49968;52863,53866
36866	120,53092	1,174;23594,23664;47457,47677;48723,49000;49704,49968;52863,53866
36866	23590,53092	23591,23664;47457,47677;48723,49000;49704,49968;52863,53866
36866	41845,53092	41827,42027;47457,47677;48723,49000;49704,49968;52863,53866
36867	78,6057	1,291;2415,2602;2795,2899;3673,3769;4002,4101;4662,4791;5895,6224
36868	220,392828	111,351;139445,139547;302830,303002;309873,309995;312700,312783;386601,386724;390019,390170;392723,392864;395832,397161
36868	220,396063	1,351;139445,139547;302830,303002;309873,309995;312700,312783;386601,386724;390019,390170;395832,397161
36868	220,396063	1,351;139445,139547;302830,303002;309873,309995;312700,312783;386601,386724;390019,390170;395832,397162
36869	301,26954	1,398;11739,11818;14492,14608;19645,19691;21748,21825;22067,22122;22196,22280;23122,23226;24385,24453;25480,25530;26852,27607
36870	147,1680	12,826
36871	294,3235	1,853;2919,4195
36871	294,3235	21,853;2919,4199
36872	67,89934	1,124;15949,16045;20822,20872;22760,22866;23063,23114;23378,23436;25540,25616;30727,30808;40259,40330;51813,51842;52702,52763;56070,56183;59653,59768;64520,64607;66690,66828;70449,70532;73016,73132;87529,88013;89802,90217
36872	52704,89934	51231,51842;52702,52763;56070,56183;59653,59768;64520,64607;66690,66828;70449,70534;73015,73132;87529,87671;87679,87755;87768,88013;89802,90213
36873	56,48403	1,231;9478,9560;12843,12932;20132,20240;23356,23441;26430,26629;31356,31462;42028,42175;43698,43866;45039,45447;47976,50228
36873	56,45584	1,231;9478,9560;12843,12932;20132,20240;23356,23441;26430,26629;31356,31462;42028,42175;43698,43866;45039,46623
36874	131,54243	1,253;914,1020;25924,26050;30707,30805;37886,38025;39223,39301;41142,41216;43962,44068;45500,45648;54235,55109
36874	59,54243	1,253;914,1020;25924,26050;30707,30805;37886,38025;39223,39301;41142,41216;43962,44068;45500,45648;54235,55109
36874	54918,55419	46425,50080;51802,56780
36875	458,5895	1,129;451,568;794,842;1449,1655;2154,2276;2575,2691;2836,2955;4183,4302;4391,4517;4756,4951;5733,5967;6100,6370
36875	458,5895	66,129;451,568;794,842;1449,1655;2154,2276;2575,2691;2836,2955;4183,4302;4391,4517;4756,4951;5733,5967;6100,6364
36876	154,13060	1,997;12827,14208
36877	239,13838	1,354;2896,3009;4056,4359;5024,5269;5352,5456;9226,9343;9695,9751;9937,10012;11933,12080;12880,13263;13268,13345;13350,13415;13421,13837
36877	239,13324	1,354;2896,3009;4056,4359;5024,5269;5352,5456;9226,9343;9695,9751;9937,10012;11933,12080;12880,14750
36878	171,1897	1,801;1291,1369;1644,2520
36879	44,9648	1,108;382,529;6156,6306;7086,7355;9487,9854
36879	44,9648	5,108;382,529;6156,6306;7086,7355;9487,9853

36880 128562, 168381 128463, 128758; 131120, 131261; 134632, 134703;
136915, 137099; 137390, 137485; 139268, 139345; 141153, 141229; 143138, 143236; 158690, 158
800; 165347, 165460; 168241, 171546

36880 128562, 168381 128520, 128758; 131120, 131261; 134632, 134703;
136915, 137099; 137390, 137485; 139268, 139345; 141153, 141229; 143138, 143236; 158690, 158
800; 165347, 165460; 168241, 168435; 170025, 171209

36880 200, 76664 1, 382; 37951, 38075; 39893, 39972; 41537, 41792; 4518
6, 45302; 46467, 46677; 47341, 47534; 48009, 48097; 48807, 48925; 52053, 52151; 52402, 52463;
57194, 57354; 57533, 57676; 59435, 59550; 59676, 59865; 59959, 60042; 60140, 60219; 60373, 60
450; 60538, 60640; 61897, 62070; 63436, 63534; 63633, 63743; 63837, 63935; 70387, 70512; 7650
3, 76664

36880 200, 76664 54, 382; 37951, 38075; 39893, 39972; 41537, 41792; 433
86, 43517; 45186, 45302; 46467, 46677; 47341, 47534; 48009, 48097; 48807, 48925; 52053, 52151
; 52402, 52463; 57194, 57354; 57533, 57676; 59435, 59550; 59676, 59865; 59959, 60042; 60140, 6
0219; 60373, 60450; 60538, 60640; 61897, 62070; 63436, 63534; 63633, 63743; 63837, 63935; 703
87, 70512; 76503, 78686

36880 200, 74291 54, 382; 37951, 38075; 39893, 39972; 41537, 41792; 433
86, 43517; 46467, 46677; 47341, 47534; 48009, 48097; 48807, 48925; 52053, 52151; 52402, 52463
; 57194, 57354; 57533, 57676; 59435, 59550; 59676, 59865; 59959, 60042; 60140, 60219; 60373, 6
0450; 60538, 60640; 61897, 62070; 63436, 63534; 63633, 63743; 63837, 63935; 70387, 70512; 741
84, 74313; 76503, 78686

36881 41, 895651 1, 416; 489, 592; 3698, 3855; 7159, 7327; 8636, 8854; 19
313, 19527; 22572, 22680; 22848, 23051; 895606, 895651

36881 41, 513615 42, 416; 489, 592; 3698, 3855; 7159, 7327; 8636, 8759; 9
628, 9743; 19313, 19527; 22572, 22680; 22848, 23051; 513576, 513615

36881 41, 647322 42, 416; 489, 592; 3698, 3855; 7159, 7327; 8636, 8759; 9
628, 9743; 19313, 19527; 22572, 22680; 22848, 23051; 647310, 647322

36881 41, 821200 42, 416; 489, 592; 3698, 3855; 7159, 7327; 8636, 8759; 9
628, 9743; 19313, 19527; 22572, 22680; 22848, 23051; 821191, 821200

36881 47, 641523 48, 416; 489, 592; 3698, 3855; 7159, 7327; 8636, 8800; 9
663, 9743; 19313, 19527; 22572, 22680; 22848, 23051; 641484, 641523

36881 498430, 505344 498181, 498442; 498542, 498608; 498929, 498997;
499085, 499221; 499511, 499666; 499756, 499830; 499937, 500011; 500658, 500906; 500984, 501
073; 502830, 502970; 503052, 503145; 504753, 504912; 505036, 505117; 505210, 505766

36881 498430, 505344 498181, 498442; 498542, 498608; 498929, 498997;
499085, 499221; 499756, 499830; 499937, 500011; 500658, 500906; 500984, 501073; 502830, 502
970; 503052, 503145; 504753, 504912; 505036, 505117; 505210, 505766

36881 498430, 505344 498181, 498608; 498929, 498997; 499085, 499221;
499511, 499666; 499756, 499830; 499937, 500011; 500658, 500906; 500984, 501073; 502830, 502
970; 503052, 503145; 504753, 504912; 505036, 505117; 505210, 505766

36881 498430, 505344 498431, 498608; 498929, 498997; 499085, 499221;
499511, 499666; 499756, 499830; 499937, 500011; 500658, 500906; 500984, 501073; 502830, 502
970; 503052, 503145; 504753, 504912; 505036, 505117; 505210, 505766

36882 56957, 77331 1, 183; 56906, 57439; 71923, 72035; 72170, 72374; 74
323, 74472; 74876, 75009; 75563, 75671; 77196, 80049

36882 55915, 77331 55762, 56133; 56906, 56917; 56923, 56934; 56939, 57
439; 71923, 72035; 72170, 72374; 74323, 74472; 74876, 75009; 75563, 75671; 77196, 77330

36882 56957, 79089 56731, 57439; 71923, 72035; 72170, 72374; 74323, 74
472; 74876, 75009; 75563, 75671; 78972, 79122

36882 56957, 77331 56902, 57439; 71923, 72035; 72170, 72374; 74323, 74

472;74876,75009;75563,75671;77196,80049
 36883 11517,24337 1,580;2472,2578;11425,11797;15205,15313;1929
 1,19394;20038,20112;21756,21864;22003,22068;22160,22282;22965,23105;24154,24732
 36883 11517,24337 432,580;2472,2578;11425,11797;15205,15313;19
 291,19394;20038,20112;21756,21864;22965,23105;24154,25304
 36883 11517,23753 464,580;2472,2578;11425,11797;15205,15313;19
 291,19394;20038,20112;21756,21864;22003,22068;22160,22282;22965,23105;23738,2390
 2;24154,25079
 36883 11517,21851 497,580;11425,11797;15205,15313;19291,19394;
 20038,20112;21756,21786;21791,21850
 36884 37,5933 1,62;2809,2927;5472,6953
 36885 1574,8411 1,2694;4739,4901;5001,5084;5169,5267;5540,5790
 ;8185,9613
 36886 11633,13074 11522,12033;12767,13926
 36886 11633,13074 11528,12033;12767,13926
 36886 37034,38317 1,526;36272,36388;37029,37473;37962,38691
 36886 11879,13074 164,526;11688,12033;12767,13926
 36886 37034,38317 36989,37473;37962,38691
 36887 68713,76761 1,266;17838,17871;65253,65324;68707,68770;69
 551,70968;71564,71737;72603,72762;73263,73461;73875,74085;74386,74500;74761,7498
 5;75965,76182;76284,76460;76644,78174
 36887 68713,76761 8,266;17838,17871;65253,65324;68707,68770;69
 551,70968;71564,71737;72603,72762;73263,73461;73875,74085;74386,74500;74761,7498
 5;75965,76182;76284,76460;76644,78174
 36888 511,58486 1,661;23441,23605;25364,25412;25750,25899;3166
 5,31737;31885,32079;32633,32714;34210,34338;34938,36293;38327,38457;38678,38801;
 40943,41122;50926,51055;51550,51674;52500,52688;53254,53379;54386,54499;58340,60
 350
 36888 511,58486 478,661;23441,23605;25364,25412;25750,25899;31
 665,31737;31885,32079;32633,32714;34210,34338;34938,36293;38327,38457;38678,3880
 1;40943,41122;43582,43674;50926,51055;51550,51674;52500,52688;53254,53379;54386,
 54499;58340,60350
 36889 23,842 11,378
 36889 23,842 23,841
 36890 72,54776 1,351;47205,47368;49499,49600;51514,51664;54709
 ,56385
 36890 72,54776 72,161;164,351;47205,47368;49499,49600;51514,51
 664;54709,56385
 36891 3968,9645 1,65;762,2204;3919,4017;4176,4252;4390,4564;46
 41,4746;4938,4984;5654,6206;7224,7349;9477,10186
 36891 3612,9645 3581,3883;4176,4252;4390,4564;4641,4746;4938,4
 984;5972,6206;7224,7349;9477,10186
 36891 3968,9645 3651,4017;4176,4252;4390,4564;4641,4746;4938,4
 984;5654,6206;7224,7349;9477,10186
 36892 554,61455 1,193;448,873;60023,60074;61224,62743
 36892 554,61455 186,873;60023,60074;61224,62743
 36892 59162,61455 58912,59283;60023,60074;61224,62743
 36893 769,111223 1,885;52138,52242;52421,52561;55641,55770;712
 80,71341;73346,73474;73601,73714;100592,100694;102350,102534;104243,104407;10512
 5,105282;105575,105649;111150,112989

36893 52487, 111223 52382, 52561; 55641, 55770; 71280, 71341; 73346, 73474; 73601, 73714; 100592, 100694; 102350, 102534; 104243, 104407; 105125, 105282; 105575, 105649; 111150, 112990

36893 769, 111223 711, 885; 52138, 52242; 52421, 52561; 55641, 55770; 71280, 71341; 73346, 73474; 100592, 100694; 102350, 102534; 104243, 104407; 105125, 105282; 105575, 105649; 111150, 112989

36893 769, 111223 711, 885; 52138, 52242; 52421, 52561; 55641, 55770; 71280, 71341; 73346, 73474; 100592, 100694; 102350, 102534; 104243, 104407; 105125, 105282; 105575, 105649; 111150, 112990

36893 769, 111223 711, 885; 52138, 52242; 52421, 52561; 55641, 55770; 71280, 71341; 73346, 73474; 73601, 73714; 100592, 100694; 102350, 102534; 104243, 104407; 105125, 105282; 105575, 105649; 111150, 112990

36894 11, 3814 11, 83; 102, 637; 1479, 1561; 1929, 2085; 2173, 2334; 2422, 2547; 2862, 3079; 3507, 3813

36894 11, 4121 1, 637; 1479, 1561; 1929, 2085; 2173, 2334; 2422, 2547; 2862, 3079; 3435, 3809; 4114, 4478

36895 97, 439 1, 1161; 5395, 5726

36896 20887, 65492 1, 115; 1752, 1819; 20866, 20984; 22642, 22810; 23895, 24032; 33509, 33578; 33709, 33892; 34419, 34558; 36237, 36408; 38700, 38800; 39930, 40046; 41219, 41378; 42682, 42817; 44800, 44884; 45799, 45955; 47100, 47224; 49109, 49213; 49940, 50082; 51631, 51778; 55846, 55968; 64277, 64462; 65379, 66213

36896 20887, 65492 33, 116; 20866, 20984; 22642, 22810; 23895, 24032; 33509, 33578; 33709, 33892; 34419, 34558; 36237, 36408; 38700, 38800; 39930, 40046; 41219, 41378; 42682, 42817; 44800, 44884; 45799, 45955; 47100, 47224; 49109, 49213; 49940, 50082; 51631, 51778; 55846, 55968; 64277, 64462; 65379, 66213

36897 114, 2284 1, 208; 812, 964; 1049, 1255; 1422, 1512; 1595, 1685; 1771, 1870; 1950, 2001; 2128, 2715

36898 38, 65646 1, 194; 63806, 63936; 64004, 64143; 64211, 64378; 64771, 64935; 65012, 65122; 65225, 65351; 65472, 65674

36898 38, 65646 27, 194; 63806, 63936; 64004, 64143; 64211, 64378; 64771, 64935; 65012, 65122; 65225, 65351; 65472, 65674

36899 27211, 45751 1, 127; 26581, 27766; 30744, 30888; 39384, 39548; 42050, 42251; 44653, 47015

36900 11490, 68613 11404, 11601; 37293, 37429; 41444, 41485; 43834, 43910; 50097, 50229; 55613, 55756; 57900, 57991; 63125, 63173; 65325, 65421; 66730, 66896; 68601, 69163

36900 11490, 68613 11482, 11601; 37293, 37429; 41444, 41485; 55613, 55756; 57900, 57991; 63125, 63173; 65325, 65421; 66730, 66896; 68601, 70429

36900 6693, 68613 1, 47; 6674, 6818; 11490, 11601; 37293, 37429; 41444, 41485; 43834, 43910; 50097, 50229; 55613, 55756; 57900, 57991; 63125, 63173; 65325, 65421; 66730, 66896; 68601, 69163

36900 6693, 68613 1, 47; 6675, 6818; 11490, 11601; 37293, 37429; 41444, 41485; 43834, 43910; 50097, 50229; 55613, 55756; 57900, 57991; 63125, 63173; 65325, 65421; 66730, 66896; 68601, 69163

36901 262, 1564 1, 52; 263, 323; 477, 648; 758, 1023; 1151, 1314; 1400, 1877

36901 262, 1564 262, 323; 477, 648; 758, 1023; 1151, 1314; 1400, 1877

36901 262, 1564 263, 323; 477, 648; 758, 1023; 1151, 1314; 1400, 1877

36902 190641, 194106 1, 51; 32750, 32763; 190640, 190686; 191265, 191291; 192299, 192470; 192976, 193241; 193552, 193697; 193797, 194239

36902 185941, 187238 185708, 185730; 185941, 186001; 186155, 186326;
 186436, 186661; 186666, 186702; 186830, 186993; 187079, 187556
 36902 185941, 187235 185730, 186001; 186161, 186326; 186436, 186661;
 186666, 186702; 186830, 186993; 187079, 187556
 36902 185941, 187244 185940, 186001; 186155, 186326; 186436, 186702;
 186830, 186993; 187079, 187556
 36903 470, 4717 1, 125; 260, 550; 4591, 4735; 8013, 8152
 36904 10795, 64913 1, 139; 10762, 10966; 29746, 29852; 30285, 30482; 39
 284, 39391; 46843, 46942; 53831, 53920; 56454, 56628; 64747, 65507
 36904 10795, 64913 4, 102; 10762, 10966; 29746, 29852; 30285, 30482; 39
 281, 39391; 46843, 46942; 53831, 53920; 56454, 56628; 64747, 64960
 36904 10795, 64913 659, 826; 10762, 10966; 29746, 29852; 30285, 30482;
 39281, 39391; 46843, 46942; 53831, 53920; 56454, 56628; 64747, 65507
 36904 10795, 64913 675, 826; 10762, 10966; 29746, 29852; 30285, 30482;
 39281, 39391; 46843, 46942; 53831, 53920; 56454, 56628; 64747, 65507
 36904 10795, 64913 675, 826; 10762, 10966; 29746, 29852; 30285, 30482;
 39281, 39391; 48975, 49065; 53831, 53920; 56454, 56628; 64747, 65507
 36905 117148, 173927 1, 137; 68089, 68213; 116976, 117375; 123161, 123
 455; 128983, 129102; 130082, 130249; 133673, 133860; 139716, 139969; 148977, 149113; 149953
 , 150086; 150321, 150438; 170999, 171250; 173230, 173408; 173918, 175235
 36905 117148, 174415 1, 137; 68089, 68213; 116976, 117375; 123161, 123
 455; 128983, 129102; 130082, 130249; 133673, 133860; 139716, 139969; 148977, 149113; 149953
 , 150086; 150321, 150438; 170999, 171250; 173918, 175235
 36905 117148, 173415 116994, 117375; 123161, 123455; 128983, 129102;
 130082, 130249; 133673, 133860; 139716, 139969; 148977, 149113; 149953, 150086; 150321, 150
 438; 170999, 171250; 173230, 173414
 36906 1138, 2425 1, 299; 1131, 3151
 36906 1138, 2425 26, 299; 1131, 3151
 36906 1138, 2425 844, 933; 1131, 3151
 36907 293, 2709 1, 578; 2128, 3041
 36908 583, 3992 1, 634; 1353, 1427; 3402, 4571
 36909 432, 218159 1, 506; 126404, 126579; 175568, 175626; 180548, 1806
 39; 190308, 190465; 193065, 193144; 206711, 206817; 208751, 208800; 208927, 209020; 212431,
 212481; 215137, 215247; 216412, 216492; 218081, 218165; 219031, 219791
 36909 126428, 218159 1, 506; 126404, 126579; 175568, 175626; 180548, 1
 80639; 190308, 190465; 193065, 193144; 206711, 206826; 208751, 208800; 208927, 209020; 2114
 91, 211538; 212431, 212481; 215137, 215247; 216412, 216492; 218081, 218165; 219031, 219791
 36909 432, 218159 1, 506; 126404, 126579; 175568, 175626; 180548, 1806
 39; 190308, 190465; 193065, 193144; 206711, 206826; 208751, 208800; 208927, 209020; 212431,
 212481; 215137, 215247; 216412, 216492; 218081, 218165; 219031, 219791
 36909 126428, 218159 1, 506; 61318, 61427; 126404, 126579; 175568, 175
 626; 180548, 180639; 190308, 190465; 193065, 193144; 206711, 206826; 208751, 208800; 208927
 , 209020; 211491, 211538; 212431, 212481; 215137, 215247; 216412, 216492; 218081, 218165; 21
 9031, 219791
 36909 126428, 218159 85186, 85286; 126404, 126579; 175568, 175626; 18
 0548, 180639; 190308, 190465; 193065, 193144; 206711, 206826; 208751, 208800; 208927, 20902
 0; 212431, 212481; 215137, 215139; 215145, 215247; 216412, 216428; 216433, 216492; 218081, 2
 18165; 219031, 219310
 36910 22548, 68938 1, 146; 22516, 22742; 37331, 37445; 42071, 42135; 45
 629, 45730; 49079, 49178; 49400, 49578; 52187, 52219; 52348, 52399; 52908, 52981; 55586, 5566

3;57612,57746;59306,59440;60076,60171;61137,61209;62807,62895;63539,63655;65562,65705;68142,68243;68356,68427;68797,70466

36910 22548,68938 13803,13902;22516,22742;37331,37445;42071,42135;45629,45730;49079,49178;49400,49578;52187,52219;52348,52399;52908,52981;55586,55663;57612,57746;59306,59440;60076,60171;61137,61209;62807,62895;63539,63655;65562,65705;68142,68243;68356,68427;68797,69039

36911 22743,143590 1,124;22744,22938;53660,53761;69679,69766;98408,98527;114464,114536;139686,139809;143417,144214

36912 241,67542 133,474;23870,23954;27954,28054;30447,30558;35808,35881;41660,41790;43229,43274;50888,50942;63490,63590;65787,65861;67356,68760

36912 241,67542 1,474;23870,23954;27954,28054;30447,30558;35808,35881;41660,41790;43229,43274;50888,50942;63490,63590;65787,65861;67356,68775

36913 2744,23984 1,100;2480,3030;5466,5609;8944,9141;10441,10592;11149,11315;11436,11513;12002,12170;13754,13909;15542,15673;16052,16131;17216,17303;17697,17774;18082,18205;18785,18927;19260,19334;20735,20881;21387,21582;22146,22267;23751,24282

36913 2744,22526 43,100;2480,3030;5466,5609;8944,9141;10441,10592;11149,11315;11436,11513;12002,12170;13754,13909;15542,15673;16052,16131;17216,17303;17697,17774;18082,18205;18785,18927;19260,19334;20735,20881;21387,21582;22146,22267;22473,22615

36913 2744,23984 43,100;2480,3030;5466,5609;8944,9141;10441,10592;11149,11315;11436,11513;12002,12170;13754,13909;15542,15673;16052,16131;17216,17303;17697,17774;18082,18205;18785,18927;19260,19334;20735,20881;21387,21582;22146,22267;23751,24282

36914 1941,19712 1,139;1862,1992;6648,6796;7196,7289;7382,7460;7555,7652;8382,8702;8791,8863;9491,9562;9644,10165;10358,10530;13986,14138;14217,14292;15416,15580;15681,15743;15952,16021;17350,17523;17745,17862;18428,18579;19568,19732;22999,23306

36914 1941,23149 2,137;1860,1992;6648,6796;7196,7289;7382,7460;7555,7652;8382,8702;8791,8863;9491,9562;9644,10165;10358,10530;13986,14138;14217,14292;15416,15580;15681,15743;15952,16021;17350,17523;17745,17862;18428,18579;22999,23306

36914 1941,23149 2,137;1860,1992;6648,6796;7196,7289;7382,7460;7555,7652;8382,8702;8791,8863;9491,9562;9644,9783;9786,9863;9868,10165;10358,10530;13986,14138;14217,14292;15416,15580;15681,15743;15952,16021;17350,17523;17745,17862;18428,18579;19568,19636;22999,23306

36914 1941,23149 2,139;1862,1992;6648,6796;7196,7289;7382,7460;7555,7652;8382,8702;8791,8863;9491,9562;9644,10165;10358,10530;13986,14138;14217,14292;15416,15580;15681,15743;15952,16021;17350,17523;17745,17862;18428,18579;19568,19636;22999,23306

36914 1941,19712 2,139;1862,1992;6648,6796;7196,7289;7382,7460;7555,7652;8382,8702;8791,8863;9491,9562;9644,10165;10358,10530;13986,14138;14217,14292;15416,15580;15681,15743;15952,16021;17350,17523;17745,17862;18428,18579;19568,19732;22999,23306

36914 1941,23149 2,139;1862,1992;6648,6796;7196,7289;7382,7460;7555,7652;8382,8702;8791,8863;9491,9562;9644,10165;10358,10530;13986,14138;14217,14292;15416,15580;15681,15743;15952,16021;17350,17523;17745,17862;18428,18579;22999,23306

36915 315,142261 1,609;46323,46427;57883,57993;58520,58663;599

20,59996;62003,62091;91407,91579;96559,96771;100419,100519;105558,105661;107774,
107891;119460,119648;123651,123787;124939,124984;142206,143241
36915 315,125076 1,609;46323,46427;57883,57993;58520,58663;599
20,59996;62003,62091;91407,91579;96559,96771;100419,100519;105558,105661;107774,
107891;119460,119648;123651,123787;124939,125107
36915 315,142220 1,609;46323,46427;57883,57993;58520,58663;599
20,59996;62003,62091;91407,91579;96559,96771;100419,100519;105558,105661;107774,
107891;119460,119648;123651,123787;142206,143241
36915 315,184726 1,609;46323,46427;57883,57993;58520,58663;599
20,59996;62003,62091;91407,91579;96559,96771;100419,100519;105558,105661;107774,
107891;119460,119648;123651,123787;157952,158131;158294,158332;163504,163606;164
937,165133;167376,167463;171561,171664;176478,176607;182658,182770;184628,186054
36915 315,176837 1,609;46323,46427;57883,57993;58520,58663;599
20,59996;62003,62091;91407,91579;96559,96771;100419,100519;105558,105661;107774,
107891;119460,119648;123651,123787;157952,158131;158294,158332;163504,163606;164
937,165133;167376,167463;171561,171664;176478,176961
36915 315,184726 1,609;46323,46427;57883,57993;58520,58663;599
20,59996;62003,62091;91407,91579;96559,96771;100419,100519;105558,105661;107774,
107891;119460,119648;123651,123787;157952,158131;163504,163606;164937,165133;167
376,167463;171561,171664;176478,176607;182658,182770;184628,186054
36915 315,176837 1,609;46323,46427;57883,57993;58520,58663;599
20,59996;62003,62091;91407,91579;96559,96771;100419,100519;105558,105661;107774,
107891;119460,119648;123651,123787;157952,158131;163504,163606;164937,165133;167
376,167463;171561,171664;176478,176961
36915 315,105712 1,609;46323,46427;57883,57993;58520,58663;599
20,59996;62003,62091;91407,91579;96559,96771;100419,100519;105558,106235
36915 315,142261 315,500;502,609;46323,46427;57883,57993;58520
,58663;59920,59996;62003,62091;91407,91579;96559,96771;100419,100519;105558,1056
61;107774,107891;119460,119648;123651,123787;124939,124984;142206,143241
36915 315,184726 315,500;502,609;46323,46427;57883,57993;58520
,58663;59920,59996;62003,62091;91407,91579;96559,96771;100419,100519;105558,1056
61;107774,107891;119460,119648;123651,123787;157952,158131;158294,158332;163504,
163606;164937,165133;167376,167463;171561,171664;176478,176607;182658,182770;184
628,186054
36915 315,184726 315,500;502,609;46323,46427;57883,57993;58520
,58663;59920,59996;62003,62091;91407,91579;96559,96771;100419,100519;105558,1056
61;107774,107891;119460,119648;123651,123787;157952,158131;163504,163606;164937,
165133;167376,167463;171561,171664;176478,176607;182658,182770;184628,186052
36915 42593,125076 42593,42604;58520,58663;59920,59996;62003,6
2091;91407,91579;96559,96771;100419,100519;105558,105661;107774,107891;119460,11
9648;123651,123787;124939,125075
36916 1507,21419 1493,1617;2614,2729;4870,4966;7849,7979;11898
,12061;14685,14807;15192,15287;15373,15458;15468,15531;16080,16145;16741,16916;1
8593,18683;19300,19421;19670,19775;19981,20102;20179,20286;20385,20501;20701,208
49;21056,21245;21326,21444
36916 1507,21419 1493,1617;2614,2729;4870,4997;7847,7979;11925
,12061;14685,14807;15192,15287;15373,15458;15468,15531;16080,16145;16741,16916;1
8593,18683;19300,19421;19670,19775;19981,20102;20179,20286;20385,20501;20701,208
49;21056,21245;21326,21444
36916 1507,21419 1507,1617;2614,2729;4870,4967;7847,7979;11898

, 12061; 14685, 14807; 15192, 15287; 15373, 15531; 16080, 16145; 16741, 16916; 18593, 18683; 19300, 19421; 19670, 19775; 19981, 20102; 20179, 20286; 20385, 20501; 20701, 20849; 21056, 21245; 21326, 21592

36916 19706, 20721 15480, 15531; 16080, 16145; 16741, 16916; 18593, 18683; 19300, 19421; 19670, 19775; 19981, 20102; 20330, 20501; 20701, 20849; 21056, 21245; 21326, 21589

36916 1507, 21419 1, 67; 1494, 1617; 2614, 2729; 4870, 4967; 7847, 7979; 11925, 12061; 14685, 14846; 15192, 15287; 15373, 15531; 16080, 16145; 16741, 16916; 18593, 18683; 19300, 19421; 19670, 19775; 19981, 20102; 20179, 20286; 20385, 20501; 20701, 20849; 21056, 21245; 21326, 21444

36916 7926, 21419 1, 67; 1494, 1617; 2614, 2729; 4870, 4997; 7847, 7979; 11925, 11939; 12031, 12051; 12053, 12083; 20753, 20849; 21056, 21245; 21326, 21444

36916 7926, 21419 4895, 4997; 7847, 7979; 11925, 11995; 20754, 20849; 21056, 21245; 21326, 21444

36917 68898, 79816 1, 269; 68751, 69219; 69398, 69533; 70007, 70134; 73968, 74088; 75446, 75499; 75861, 75933; 77125, 77270; 79578, 84096

36917 23049, 105911 21330, 21399; 22816, 22940; 23021, 23057; 23954, 24069; 26231, 26327; 29154, 29284; 33218, 33354; 99167, 99289; 99674, 99769; 99855, 100013; 100562, 100627; 101223, 101398; 103084, 103174; 103791, 103912; 104161, 104266; 104472, 104593; 104670, 104777; 104876, 104992; 105193, 105341; 105548, 105737; 105818, 105936

36917 23049, 105911 21330, 21399; 22816, 22940; 23021, 23057; 23954, 24069; 26231, 26358; 29152, 29284; 33218, 33354; 99167, 99289; 99674, 99769; 99855, 100013; 100562, 100627; 101223, 101398; 103084, 103174; 103791, 103912; 104161, 104266; 104472, 104593; 104670, 104777; 104876, 104992; 105193, 105341; 105548, 105737; 105818, 105936

36917 22830, 42707 21330, 21399; 22816, 22940; 23954, 24069; 26231, 26327; 29154, 29284; 33191, 33354; 35977, 36099; 36484, 36579; 36665, 36750; 36757, 36820; 37369, 37434; 38030, 38205; 39881, 39971; 40588, 40709; 40958, 41063; 41269, 41390; 41467, 41574; 41673, 41789; 41989, 42137; 42344, 42533; 42614, 42732

36917 22830, 105911 21330, 21399; 22816, 22940; 23954, 24069; 26231, 26327; 29154, 29284; 33191, 33354; 99167, 99289; 99674, 99769; 99855, 100013; 100562, 100627; 101223, 101398; 103084, 103174; 103791, 103912; 104161, 104266; 104472, 104593; 104670, 104777; 104876, 104992; 105193, 105341; 105548, 105737; 105818, 105936

36917 22830, 105911 21330, 21399; 22816, 22940; 23954, 24069; 26231, 26327; 29154, 29284; 33218, 33354; 99167, 99289; 99674, 99769; 99855, 100013; 100562, 100627; 101223, 101398; 103084, 103174; 103791, 103912; 104161, 104266; 104472, 104593; 104670, 104777; 104876, 104992; 105193, 105341; 105548, 105737; 105818, 105936

36917 22830, 42707 21330, 21399; 22816, 22940; 23954, 24069; 26231, 26358; 29152, 29284; 33218, 33354; 35977, 36099; 36484, 36579; 36665, 36750; 36757, 36820; 37369, 37434; 38030, 38205; 39881, 39971; 40588, 40709; 40958, 41063; 41269, 41390; 41467, 41574; 41673, 41789; 41989, 42137; 42344, 42533; 42614, 42732

36917 22830, 105911 21330, 21399; 22816, 22940; 23954, 24069; 26231, 26358; 29152, 29284; 33218, 33354; 99167, 99289; 99674, 99769; 99855, 100013; 100562, 100627; 101223, 101398; 103084, 103174; 103791, 103912; 104161, 104266; 104472, 104593; 104670, 104777; 104876, 104992; 105193, 105341; 105548, 105737; 105818, 105936

36917 22830, 105911 21330, 21399; 22816, 22940; 23954, 24069; 26231, 26358; 29152, 29284; 33218, 33354; 99167, 99328; 99674, 99769; 99855, 100013; 100562, 100627; 101223, 101398; 103084, 103174; 103791, 103912; 104161, 104266; 104472, 104593; 104670, 104777; 104876, 104992; 105193, 105341; 105548, 105737; 105818, 105936

36917 99187, 105911 21330, 21399; 22816, 22940; 23954, 24069; 26231, 26358; 29152, 29284; 99167, 99289; 99674, 99769; 99855, 100013; 100562, 100627; 101223, 101398

8;103084,103174;103791,103912;104161,104266;104472,104593;104670,104777;104876,104992;105193,105341;105548,105737;105818,105936

36917 99688,105911 21330,21399;22816,22940;23954,24069;26231,26358;29152,29284;99674,99769;99855,100013;100562,100627;101223,101398;103084,103174;103791,103912;104161,104266;104472,104593;104670,104777;104876,104992;105193,105341;105548,105737;105818,105936

36917 22830,42707 21342,21408;22817,22940;23954,24069;26231,26328;29152,29284;33191,33354;35977,36099;36484,36579;36665,36750;36757,36820;37369,37434;38030,38205;39881,39971;40588,40709;40958,41063;41269,41390;41467,41574;41673,41789;41989,42137;42344,42533;42614,42732

36917 22830,42707 21342,21408;22817,22940;23954,24069;26231,26328;29152,29284;33218,33354;35977,36099;36484,36579;36665,36750;36757,36820;37369,37434;38030,38205;39881,39971;40588,40709;40958,41063;41269,41390;41467,41574;41673,41789;41989,42137;42344,42533;42614,42732

36917 22830,42707 21342,21408;22817,22940;23954,24069;26231,26328;29152,29284;33218,33354;35977,36138;36484,36579;36665,36750;36757,36820;37369,37434;38030,38205;39881,39971;40588,40709;40958,41063;41269,41390;41467,41574;41673,41789;41989,42137;42344,42533;42614,42732

36917 37399,42707 21342,21408;22817,22940;23954,24069;26231,26358;29152,29284;33218,33354;35977,36099;36484,36579;36665,36750;36757,36820;37369,37434;38030,38089;39881,39971;40588,40709;40958,41063;41269,41390;41467,41574;41673,41789;41989,42137;42344,42533;42614,42732

36917 22830,42707 21342,21408;22817,22940;23954,24069;26231,26358;29152,29284;33218,33354;35977,36099;36484,36579;36665,36750;36757,36820;37369,37434;38030,38205;39881,39971;40588,40709;40958,41063;41269,41390;41467,41574;41673,41789;41989,42137;42344,42533;42614,42732

36917 37399,42707 21342,21408;22817,22940;23954,24069;26231,26358;29152,29284;33218,33354;35977,36138;36484,36579;36665,36750;36757,36820;37369,37434;38030,38089;39881,39971;40588,40709;40958,41063;41269,41390;41467,41574;41673,41789;41989,42137;42344,42533;42614,42732

36917 29231,42707 26256,26358;29152,29284;33218,33288;42042,42137;42344,42533;42614,42732

36918 32,12843 1,35;6179,6284;12719,13038

36918 32,12848 1,35;6179,6284;7199,7304;12719,13038

36919 111,9253 1,193;6352,7094;9107,10213

36919 111,9253 1,193;6352,7094;9107,9299;9677,10213

36919 111,9253 1,193;6352,7094;9107,9301;9679,10213

36920 5,8204 1,95;1645,1827;5098,5249;6159,6895;8176,8459

36921 3489,7515 1,87;3456,3700;6521,7122;7282,8687

36921 3489,7515 44,87;924,1068;3456,3700;6521,7122;7282,8687

36922 1838,209132 124,412;1704,1849;3105,3337;4874,5015;5690,5740;6727,6777;7574,7723;17419,17533;64345,64490;150904,150980;204618,204676;206064,206153;208845,210219

36922 3105,206551 1,412;3105,3337;4874,5015;5690,5740;6727,6777;7574,7723;17419,17533;64345,64490;150904,150980;204618,204680;206068,206153;206492,206587;208845,210272

36922 3334,206551 1908,2403;3105,3337;4897,5015;5690,5740;6727,6777;7574,7723;17419,17533;64345,64490;150904,150980;204618,204676;206064,206153;206492,206587;208845,210272

36922 3132,206551 3002,3337;4874,5015;5690,5740;6727,6777;7574

, 7723; 17419, 17533; 64345, 64490; 150904, 150980; 204618, 204676; 206043, 206153; 206492, 206587; 208845, 210272

36922 3132, 206551 5, 412; 3105, 3337; 4874, 5015; 5690, 5740; 6727, 6777; 7574, 7723; 17419, 17533; 64345, 64490; 150904, 150980; 204618, 204676; 206064, 206153; 206492, 206587; 208845, 210272

36922 1838, 206551 801, 1849; 3105, 3337; 4874, 5015; 5690, 5740; 6727, 6777; 7574, 7723; 17419, 17533; 64345, 64490; 150904, 150980; 204618, 204676; 206043, 206153; 206492, 206587; 208845, 210272

36922 1838, 209132 801, 1849; 3105, 3337; 4874, 5015; 5690, 5740; 6727, 6777; 7574, 7723; 17419, 17533; 64345, 64490; 150904, 150980; 204618, 204676; 206043, 206153; 208845, 210272

36922 1838, 206551 801, 1849; 3105, 3337; 4874, 5015; 5690, 5740; 6727, 6777; 7574, 7723; 17419, 17533; 64345, 64490; 150904, 150980; 204618, 204676; 206064, 206153; 206492, 206587; 208845, 210272

36922 1838, 209132 801, 1849; 3105, 3337; 4874, 5015; 5690, 5740; 6727, 6777; 7574, 7723; 17419, 17533; 64345, 64490; 150904, 150980; 204618, 204676; 206064, 206153; 208845, 210272

36922 3132, 206551 801, 1849; 3105, 3337; 4874, 5015; 5690, 5740; 6727, 6777; 7574, 7723; 17419, 17533; 64345, 64490; 150904, 150980; 204618, 204680; 206068, 206153; 206492, 206587; 208845, 210272

36922 1838, 204627 801, 1849; 3105, 3337; 4874, 5015; 5690, 5740; 6727, 6777; 7574, 7723; 17419, 17533; 64345, 64490; 204618, 204676; 206064, 206153; 206492, 206587; 208845, 210272

36923 3215, 6321 1, 2952; 3142, 3253; 4430, 4510; 5358, 5551; 6206, 6462

36923 3215, 6321 2883, 2952; 3125, 3253; 4430, 4510; 5358, 5551; 6206, 6727

36923 3215, 6321 2883, 2952; 3142, 3253; 4430, 4510; 5358, 5551; 6206, 6727

36923 3215, 6321 3090, 3253; 4430, 4510; 5358, 5551; 6206, 6727

36924 3215, 6321 1, 2952; 3142, 3253; 4430, 4510; 5358, 5551; 6206, 6462

36924 3215, 6321 2883, 2952; 3125, 3253; 4430, 4510; 5358, 5551; 6206, 6727

36924 3215, 6321 2883, 2952; 3142, 3253; 4430, 4510; 5358, 5551; 6206, 6727

36924 3215, 6321 3090, 3253; 4430, 4510; 5358, 5551; 6206, 6727

36925 57, 11777 1, 441; 10214, 10378; 10712, 10792; 11598, 12517; 13590, 13664

36925 57, 11777 1, 441; 10214, 10378; 10712, 10792; 11598, 13664

36926 57751, 61024 1, 640; 38342, 38405; 57746, 57920; 60247, 60403; 60916, 62150

36926 57751, 61024 49847, 50302; 57188, 57285; 57746, 57920; 60247, 60403; 60916, 63491

36926 57751, 60485 50223, 50302; 57746, 57920; 60247, 62150

36927 156, 38248 12, 253; 4958, 5146; 5484, 5586; 7583, 7668; 9193, 9390; 14957, 15139; 15551, 15595; 15723, 15767; 18265, 18306; 31236, 31274; 33015, 33050; 33563, 33626; 38197, 38248

36927 156, 38248 12, 253; 4958, 5146; 5484, 5586; 7583, 7668; 9193, 9390; 14957, 15139; 15551, 15595; 15723, 15767; 18265, 18306; 31236, 31274; 33015, 33050; 33563, 33626; 38197, 38289; 41463, 43447

36927 156, 38248 1, 253; 4958, 5146; 5484, 5586; 7583, 7668; 9193, 9390;

14957, 15139; 15551, 15595; 15723, 15767; 18265, 18306; 31236, 31274; 33015, 33050; 33563, 33626; 38197, 38289; 41463, 43457

36927 156, 41535 1, 253; 4958, 5146; 5484, 5586; 7583, 7668; 9193, 9390;
14957, 15139; 15551, 15595; 15723, 15767; 18265, 18306; 31236, 31274; 33015, 33050; 33563, 33626; 41463, 43457

36927 156, 38248 1, 253; 4958, 5146; 5484, 5586; 7583, 7668; 9193, 9390;
14957, 15139; 15551, 15595; 15723, 15767; 31236, 31274; 33015, 33050; 33563, 33626; 38197, 38289; 41463, 43457

36927 156, 41535 1, 253; 4958, 5146; 5484, 5586; 7583, 7668; 9193, 9390;
14957, 15139; 15551, 15595; 15723, 15767; 31236, 31274; 33015, 33050; 33563, 33626; 41463, 43457

36927 156, 38248 1, 253; 4958, 5146; 5484, 5586; 7583, 7668; 9193, 9390;
14957, 15139; 15723, 15767; 18265, 18306; 31236, 31274; 33015, 33050; 33563, 33626; 38197, 38289; 41463, 43457

36927 156, 41535 1, 253; 4958, 5146; 5484, 5586; 7583, 7668; 9193, 9390;
14957, 15139; 15723, 15767; 18265, 18306; 31236, 31274; 33015, 33050; 33563, 33626; 41463, 43457

36927 156, 41539 1, 253; 4958, 5146; 5484, 5586; 7583, 7668; 9193, 9390;
14957, 15139; 15723, 15767; 18265, 18306; 31236, 31274; 33015, 33050; 33600, 33626; 41463, 43457

36927 156, 38248 1, 253; 4958, 5146; 5484, 5586; 7583, 7668; 9193, 9390;
14957, 15139; 15723, 15767; 31236, 31274; 33015, 33050; 33563, 33626; 38197, 38289; 41463, 43457

36927 156, 41535 1, 253; 4958, 5146; 5484, 5586; 7583, 7668; 9193, 9390;
14957, 15139; 15723, 15767; 31236, 31274; 33015, 33050; 33563, 33626; 41463, 43457

36927 156, 38248 1, 253; 4958, 5146; 5484, 5586; 7583, 7668; 9193, 9390;
14957, 15139; 18265, 18306; 31236, 31274; 33015, 33050; 33563, 33626; 38197, 38289; 41463, 43457

36927 156, 41535 1, 253; 4958, 5146; 5484, 5586; 7583, 7668; 9193, 9390;
14957, 15139; 18265, 18306; 31236, 31274; 33015, 33050; 33563, 33626; 41463, 43457

36927 156, 41539 1, 253; 4958, 5146; 5484, 5586; 7583, 7668; 9193, 9390;
14957, 15139; 18265, 18306; 31236, 31274; 33015, 33050; 41463, 43457

36927 156, 38248 1, 253; 4958, 5146; 5484, 5586; 7583, 7668; 9193, 9390;
14957, 15139; 31236, 31274; 33015, 33050; 33563, 33626; 38197, 38289; 41463, 43457

36927 156, 41535 1, 253; 4958, 5146; 5484, 5586; 7583, 7668; 9193, 9390;
14957, 15139; 31236, 31274; 33015, 33050; 33563, 33626; 41463, 43457

36928 217, 40712 1, 254; 3096, 3276; 4747, 4990; 11485, 11553; 14825, 14941; 21431, 21510; 22108, 22303; 22872, 23012; 23598, 23698; 23870, 24023; 24113, 24214; 24411, 24590; 26185, 26343; 26506, 26595; 28693, 28818; 29765, 29935; 30048, 30164; 30247, 30417; 31519, 31671; 34418, 34670; 34911, 35034; 40538, 42808

36928 217, 40712 1, 254; 3126, 3276; 4747, 4990; 11485, 11553; 14825, 14941; 21431, 21510; 22108, 22303; 22872, 23012; 23598, 23698; 23870, 24023; 24113, 24214; 24411, 24590; 26185, 26343; 26506, 26595; 28693, 28818; 29765, 29935; 30048, 30164; 30247, 30417; 31519, 31671; 34418, 34670; 34911, 35034; 40538, 42808

36928 217, 11565 1, 254; 3126, 3276; 4747, 4990; 11485, 14941; 21431, 21510; 22872, 23012; 23598, 23698; 23870, 24023; 24113, 24214; 24411, 24590; 26185, 26343; 26506, 26595; 28693, 28818; 29765, 29935; 30048, 30164; 30247, 30417; 31519, 31671; 34418, 34670; 34911, 35034; 40538, 42808

36929 1279, 3678 10, 35; 1231, 1599; 1698, 1837; 2051, 2245; 2489, 2552; 2802, 2971; 3175, 3292; 3426, 3734

36929	1279,3678	1,35;329,510;1231,1599;1698,1837;2051,2245;248 9,2552;2802,2971;3175,3292;3426,3734
36929	1279,3678	27,35;329,537;1231,1599;1698,1837;2051,2245;24 89,2552;2802,2971;3175,3292;3426,3734
36930	101,27683	101,163;9228,9372;11641,11708;12049,12112;1276 8,12897;13116,13225;13400,13540;15345,15595;15810,15935;16306,16423;16619,16867; 20132,20208;20646,20815;23559,23626;25700,25900;26293,26412;26542,26609;26752,26 787;26995,27045;27256,27654;27659,27682
36930	101,30587	1,163;9228,9372;11641,11708;12049,12112;12768, 12897;13116,13225;13400,13540;15345,15595;15810,15935;16306,16423;16619,16867;20 132,20208;20646,20815;23559,23626;25700,25900;26293,26412;26542,26609;26752,2678 7;26995,27045;27256,27699;28046,28229;30513,31634
36930	9246,30587	368,461;9228,9372;11641,11708;12049,12112;127 68,12897;13116,13225;13400,13540;15345,15595;15810,15935;16306,16423;16619,16867 ;20132,20208;20646,20815;23559,23626;25700,25900;26293,26412;26542,26609;26752,2 6787;26995,27045;27256,27699;28046,28229;30513,31673
36931	10963,84526	10910,11007;21496,21619;52017,52114;52262,52 404;61328,61516;80023,80179;84382,86085
36931	10963,84526	10910,11007;21496,21619;52017,52114;52262,52 404;74579,74614;80023,80179;84382,86085
36931	10963,84526	10910,11007;21496,21619;52017,52114;52262,52 404;80023,80179;84382,86085
36931	10963,84526	1,321;10910,11007;21496,21619;52017,52114;52 262,52404;74579,74614;80023,80179;84382,86085
36931	21499,52457	1,321;21496,21619;52017,52114;52262,52974
36931	80036,84526	1,321;80023,80179;84382,86085
36931	80036,84931	1,321;80023,80179;84784,86085
36931	21499,84925	21500,21619;48981,49127;52017,52114;52262,52 404;61328,61516;80023,80179;84784,84958
36931	40853,84931	40667,40931;52017,52114;52262,52404;61328,61 516;80023,80179;84784,86085
36931	40853,84931	40667,40931;52017,52114;52262,52404;80023,80 179;84784,86085
36931	48830,84931	48724,48833;52017,52114;52262,52404;61328,61 516;80023,80179;84784,86085
36931	48830,84931	48724,48833;52017,52114;52262,52404;80023,80 179;84784,86085
36931	10963,84931	588,695;10910,11007;21496,21619;52017,52114; 52262,52404;61328,61516;80023,80179;84784,86085
36931	21499,84931	588,695;10910,11007;21496,21619;52017,52114; 52262,52404;80023,80179;84784,86085
36931	21499,84931	588,695;21496,21619;52017,52114;52262,52404; 80023,80179;84784,86085
36931	68317,84526	68255,68342;74579,74614;80023,80179;84382,86 085
36931	68317,84931	68255,68342;74579,74614;80023,80179;84784,86 085
36931	68317,84526	68255,68342;80023,80179;84382,86085
36931	68317,84931	68255,68342;80023,80179;84784,86085
36931	68317,84526	68318,68342;74579,74614;80023,80179;84382,86

085

36931	69190,84526	69030,69227;80023,80179;84382,86085
36931	69190,84931	69030,69227;80023,80179;84784,86085
36931	74607,84526	69030,69270;74579,74614;80023,80179;84382,86

085

36931	80036,84526	69030,69270;80023,80179;84382,86085
36931	80036,84931	69030,69270;80023,80179;84784,86085
36931	69190,84526	69191,69227;80023,80179;84382,86085
36932	11661,40626	1,151;4609,4711;11590,11769;15865,16028;1762 4,17780;18986,19106;21673,21941;22330,22476;22909,22987;25022,25082;25393,25454; 27095,27169;28094,28295;28519,28604;30428,30585;30922,31088;32610,32721;34430,34 566;34864,34929;35189,35254;36123,36266;38314,38551;40054,40174;40502,40933
36933	725,14719	1,945;7988,8151;14573,16669
36934	1,110229	1,101;67083,67210;83537,83654;86190,86340;88322 ,88481;89203,89442;91292,91552;104315,104428;108570,108707;110023,110553
36934	85,110229	5,101;67083,67210;83537,83654;86190,86340;8832 2,88481;89203,89442;91292,91552;104315,104428;108570,108707;110023,110553
36935	2022,19912	1,122;2000,2033;3078,3122;5736,5851;8442,8593 ;9074,9207;15480,15613;16016,16139;17000,17146;19798,20239
36935	120,19912	1,122;3078,3122;5736,5851;8442,8593;9074,9207; 15480,15613;16016,16139;17000,17146;19798,20239
36935	3078,19912	131,301;3078,3122;5736,5851;8442,8593;9074,92 07;15480,15613;16016,16139;17000,17146;19798,20237
36936	139,5898	1,249;2668,2772;5733,6053
36937	1,29217	1,407;18241,18360;22528,22684;24882,24987;25503, 25700;28012,28204;28451,28538;28728,28874;29055,30256
36938	760,113158	1,867;13864,13881;14943,15053;35534,35626;358 29,35885;36590,36732;36816,36906;43021,43158;43972,44020;49673,49829;52632,52688 ;55477,55573;55932,56038;57483,57615;59944,60025;61908,61966;71498,71643;74051,7 4183;76581,76700;81263,81402;82266,82397;85528,85746;85936,86066;86357,86454;966 96,96789;103484,103566;104027,104107;108071,108164;109960,110076;110633,110742;1 11954,112043;113041,113975
36938	760,113158	1,867;14943,15053;35534,35626;35829,35885;365 90,36732;36816,36906;43021,43158;43972,44020;49673,49829;52632,52688;55477,55573 ;55932,56038;57483,57615;59944,60025;61908,61966;71498,71643;74051,74183;76581,7 6700;81263,81402;82266,82397;85528,85746;85936,86066;86357,86454;96696,96789;103 484,103566;104027,104107;108071,108164;109960,110076;110633,110742;111954,112043 ;113041,113975
36938	760,113158	358,867;13864,13881;14943,15053;35534,35626;3 5829,35885;36590,36732;36816,36906;43021,43158;43972,44020;49673,49829;52632,526 88;55477,55573;55932,56038;57483,57615;59944,60025;61908,61966;71498,71643;74051 ,74183;76581,76700;81263,81402;82266,82397;85528,85746;85936,86066;86357,86454;9 6696,96789;103484,103566;104027,104107;108071,108164;109960,110076;110633,110742 ;111954,112043;113041,113982
36938	760,113158	358,867;14943,15053;35534,35626;35829,35885;3 6590,36732;36816,36906;43021,43158;43972,44020;49673,49829;52632,52688;55477,555 73;55932,56038;57483,57615;59944,60025;61908,61966;71498,71643;74051,74183;76581 ,76700;81263,81402;82266,82397;85528,85746;85936,86066;86357,86454;96696,96789;1 03484,103566;104027,104107;108071,108164;109960,110076;110633,110742;111954,1120 43;113041,113982

36939 56,5168 1,554;4932,5309;6633,7518
36939 56,5168 6,554;4932,5809;6530,7523
36940 11566,82836 1,130;11342,11423;11514,11641;34344,34594;37
113,37254;50400,50467;56191,56411;61578,61676;69933,70019;75316,75489;80673,8079
1;82681,83948
36940 11566,75405 11567,11641;34344,34594;37113,37254;50400,50
467;56191,56411;61578,61676;69933,70019;72371,72462;75316,75489;80673,80791;8268
1,82836
36940 11566,75405 11567,11653;34344,34594;37113,37254;50400,50
467;56191,56411;61578,61676;69933,70019;72371,72462;75316,75489;80673,80791;8268
1,83948
36940 11566,82836 18,130;11342,11423;11514,11653;34344,34594;3
7113,37254;50400,50467;56191,56411;61578,61676;69933,70019;75316,75489;80673,807
91;82681,83948
36940 11566,82836 364,770;11342,11423;11514,11641;34344,34594;
37113,37254;50400,50467;56191,56411;61578,61676;69933,70019;75316,75489;80673,80
791;82681,83948
36941 6948,15615 1,13;6946,7019;7837,7953;8753,8840;10496,1064
1;11052,11149;13093,13181;15487,16961
36941 6948,15615 6941,7019;7837,7953;8753,8840;10496,10641;110
52,11149;13093,13181;15487,16960
36942 0,512515 1,183;390,488;1107,1377;512436,512515
36942 84128,111583 84012,84266;90011,90113;94906,95117;98278,9
8379;111128,111216;111556,113136
36942 84128,106282 84043,84266;90011,90113;94906,95117;98278,9
8379;106214,106282
36943 113,99618 1,186;46448,46612;49598,49622;63157,63243;6771
9,67841;67947,68078;72933,73058;75293,75414;77171,77286;80740,80929;87359,87526;
88966,89134;94548,94699;96671,96896;99457,100749
36943 113,99618 1,188;46455,46612;49598,49622;63157,63243;6771
9,67841;67947,68078;72933,73058;75293,75414;77171,77286;80740,80929;87359,87526;
88966,89134;94548,94699;96671,96896;99457,100749
36944 110497,341769 110466,110691;121597,121763;136835,136922;
154556,154635;154912,154974;170708,170762;182214,182354;182880,182957;197584,197
691;200658,200775;207850,207880;211708,211760;236944,237000;239972,240069;248918
,249002;254374,254474;256467,256582;257904,258004;262127,262216;265779,265983;28
3525,283636;295029,295115;300212,300343;314540,314602;325735,325774;326830,32693
6;332810,332965;336237,336317;341556,342843
36944 17123,341769 1,109;17079,17156;110465,110691;121597,1217
63;136835,136922;154556,154635;154912,154974;170708,170762;182214,182354;182880,
182957;197584,197691;200658,200775;207850,207880;211708,211760;236944,237000;239
972,240069;248918,249002;254374,254474;256467,256582;257904,258004;262127,262216
;265779,265983;283525,283636;295029,295115;298527,298664;300212,300343;314540,31
4602;325735,325774;326830,326936;332810,332965;336237,336317;341556,342832
36944 110497,341769 1,109;75485,75573;110465,110691;121597,121
763;136835,136922;154556,154635;154912,154974;170708,170762;182214,182354;182880
,182957;197584,197691;200658,200775;207850,207880;211708,211760;236944,237000;23
9972,240069;248918,249002;254374,254474;256467,256582;257904,258004;262127,26221
6;265779,265983;283525,283636;295029,295115;298527,298664;300212,300343;314540,3
14602;325735,325774;326830,326936;332810,332965;336237,336317;341556,342832

36944 170706,341769 170705,170762;182214,182354;182880,182957;
197584,197691;200658,200775;207850,207880;211708,211760;236944,237000;239972,240
069;248918,249002;249247,249305;249317,249349;254388,254474;256467,256582;257904
,258004;262127,262216;265779,265983;283525,283636;295029,295115;298527,298664;30
0212,300343;314540,314602;325735,325774;326830,326936;332810,332965;336237,33631
7;341556,342829

36944 170709,266538 170709,170762;182214,182354;182880,182957;
197584,197691;200658,200775;207850,207880;211708,211760;236944,237000;239972,240
069;248918,249002;249247,249305;249308,249349;254388,254474;256467,256582;257904
,258004;262127,262216;265779,265983;266444,266537

36944 170709,341769 170709,170762;182214,182354;182880,182957;
197584,197691;200658,200775;207850,207880;211708,211760;236944,237000;239972,240
069;248918,249002;249247,249305;249308,249349;254388,254474;256467,256582;257904
,258004;262127,262216;265779,265983;283525,283636;295029,295115;298527,298664;30
0212,300343;325735,325774;326830,326936;332810,332965;336237,336317;341556,34282
9

36945 83,3729 1,121;156,391;476,1326;1728,1791;2068,2239;3575,
3598;3614,3882

36945 135,3729 136,189;194,391;476,1326;1728,1791;2068,2239;35
75,3882

36945 199,3240 179,391;476,1326;1728,1791;2068,2239;3038,3240

36946 147,55236 1,226;15844,15949;22705,22840;25009,25171;2842
7,28486;30225,30326;30923,31060;32362,32499;38391,38534;39317,39445;40563,40688;
44247,44366;45775,45906;47654,47777;55233,55873

36946 147,60428 1,226;15844,15949;22705,22840;25009,25171;2842
7,28486;30225,30326;30923,31060;32362,32499;38391,38534;39317,39445;40563,40688;
44247,44366;45775,45906;47654,47777;60074,60523

36946 147,97608 1,226;15844,15949;22705,22840;25009,25171;2842
7,28486;30225,30326;30923,31060;32362,32499;38391,38534;39317,39445;40563,40688;
44247,44366;45775,45906;47654,47777;62046,62153;62307,62317;63128,63135;71800,71
815;74139,74270;97469,98296

36946 147,62154 1,226;15844,15949;22705,22840;25009,25171;2842
7,28486;30225,30326;30923,31060;32362,32499;38391,38534;39317,39445;40563,40688;
44247,44366;45775,45906;47654,47777;62046,62863

36946 147,97608 1,226;15844,15949;22705,22840;25009,25171;2842
7,28486;30225,30326;30923,31060;32362,32499;38391,38534;39317,39445;40563,40688;
44247,44366;45775,45906;47654,47777;71673,71815;74139,74270;97469,98296

36947 566,162898 1,632;90253,90330;93273,93311;94789,94851;119
761,119911;159969,160099;162767,162997

36947 566,165058 1,632;90253,90330;93273,93311;94789,94851;119
761,119911;159969,160099;164975,165058

36947 566,174424 1,632;90253,90330;93273,93311;94789,94851;119
761,119911;159969,160099;174362,174431;177419,177624;181732,181835;186112,186231

36947 566,174424 1,632;90253,90330;93273,93311;94789,94851;119
761,119911;174281,174282;174362,174431;181732,181835;186112,186231

36948 47,4071 1,104;607,994;1283,1390;1589,2042;2142,2197;2347
,2483;2629,2750;2831,2980;3996,4140;40812,40825;328073,328086

36948 47,4071 22,104;607,707;1920,2042;2142,2197;2347,2483;262
9,2750;2831,2980;3996,4082

36948 236484,245182 234097,234136;236448,236534;238284,238410;

238670, 238734; 238808, 238973; 241839, 242072; 242200, 242223; 242493, 242563; 242657, 242788; 243402, 244207; 244290, 244299; 244425, 244633; 245088, 245252

36948 236484, 245182 234114, 234136; 236448, 236534; 238284, 238410;
238670, 238734; 238808, 238973; 241839, 242072; 242200, 242223; 242493, 242563; 242657, 242788; 243402, 244633; 245088, 246117

36948 236484, 245182 234114, 234136; 236448, 236534; 238284, 238410;
238670, 238734; 238808, 238973; 241839, 242072; 242200, 242223; 242493, 242563; 242657, 242788; 243402, 244633; 245088, 246120

36949 13170, 17925 1, 123; 609, 687; 5193, 5382; 5743, 5950; 11866, 11999;
9; 12258, 12526; 13124, 13449; 16707, 16800; 16990, 17113; 17201, 17343; 17549, 17966

36949 5299, 17925 1, 123; 609, 687; 5193, 5382; 5743, 5950; 11866, 11999;
; 12258, 12526; 13124, 13449; 16707, 16800; 16990, 17113; 17201, 17343; 17549, 17966

36949 11, 17925 12, 104; 189, 206; 609, 687; 5193, 5382; 5743, 5950; 11866, 11999;
6, 11999; 12258, 12526; 13124, 13449; 16707, 16800; 16990, 17113; 17201, 17343; 17549, 17966

36949 13170, 17925 3, 123; 609, 687; 5193, 5382; 5743, 5950; 11866, 11999;
9; 12258, 12526; 13124, 13449; 16707, 16800; 16990, 17113; 17201, 17343; 17549, 17966

36950 127250, 129366 112592, 112975; 116079, 116269; 118360, 118497;
120468, 120604; 121524, 121714; 121879, 121982; 126739, 126853; 126961, 127080; 127209, 127307; 127310, 127312; 127968, 128123; 129115, 129165; 129289, 129744

36950 112755, 129366 112592, 112975; 116079, 116269; 118360, 118497;
120468, 120604; 121524, 121714; 121879, 121982; 126739, 126853; 126961, 127080; 127209, 127312; 127968, 128123; 129115, 129165; 129289, 129744

36950 142, 8594 1, 191; 2479, 2604; 3249, 3410; 4055, 4273; 4829, 4911; 7039, 7219; 8467, 9674

36950 142, 8594 1, 191; 2479, 2604; 3249, 3410; 4055, 4273; 4829, 4911; 7039, 7219; 8467, 9680

36950 147259, 148744 147220, 147299; 147476, 147630; 148018, 148125;
148270, 148416; 148580, 149598

36950 147259, 148744 147220, 147299; 147476, 147639; 148018, 148125;
148270, 148416; 148580, 149598

36950 147447, 148744 147220, 147630; 148018, 148125; 148270, 148416;
148580, 149597

36950 206273, 221241 194595, 194877; 205977, 206326; 208656, 208723;
209293, 209393; 215620, 215767; 216395, 216600; 218492, 218638; 220027, 220285; 220991, 221821

36950 206273, 225167 194692, 194877; 205977, 206326; 208656, 208723;
209293, 209393; 215620, 215767; 216395, 216600; 218492, 218638; 220027, 220285; 220991, 221118; 224805, 225650

36950 254397, 261423 254398, 255165; 257968, 258191; 261030, 262078

36950 272333, 301406 272108, 272158; 272169, 272564; 272992, 273019;
273355, 273392; 293538, 293696; 293787, 293938; 294510, 294686; 295266, 295951; 298582, 298646; 299283, 299397; 299635, 299733; 299988, 300202; 301109, 301231; 301383, 301447; 302232, 303956

36950 272333, 301406 272116, 272564; 272992, 273019; 273355, 273392;
293538, 293696; 293787, 293938; 294510, 294686; 295266, 295951; 298582, 298646; 299283, 299397; 299635, 299733; 299988, 300202; 301109, 301231; 301383, 301447; 302232, 303956

36950 139, 8594 4, 191; 334, 399; 2479, 2604; 3249, 3410; 4055, 4273; 4829, 4911; 7039, 7219; 8467, 8867

36950 97472, 108843 94758, 94870; 97468, 97686; 98045, 98222; 102267, 102432; 103309, 103405; 103914, 103961; 104372, 104398; 105595, 105615; 106058, 106212; 106

685,106799;107709,107782;108601,109551

36950 97472,108843 94758,94870;97468,97686;98045,98222;102267,
102432;103309,103405;103914,103961;104372,104398;106016,106036;106058,106212;106
685,106799;107709,107782;108601,109551

36951 112,35143 111,240;28510,28638;31043,31072;35134,35157;36
211,36246;38321,38690

36951 112,35143 112,240;28510,28638;31043,31072;35134,35157;36
212,36246;38322,38690

36951 112,38404 1,240;28510,28638;31043,31072;36212,36246;3832
2,38694

36951 112,38404 47,240;28510,28638;31043,31072;36212,36246;383
22,38690

36952 44,28098 1,564;4901,5149;6735,6832;6973,7123;7212,7330;7
562,7639;7842,8004;8178,8378;9598,9735;10123,10249;10409,10545;10745,10938;11029
,11142;11806,11949;12150,12273;12369,12529;12804,12894;12983,13152;13371,13488;1
3579,13841;14233,14830;15565,15738;15876,16038;16320,16480;17272,17439;17520,176
43;18136,18292;18368,18557;18906,19153;19929,20058;20378,20518;20807,20935;21030
,21203;22166,22327;22403,22606;23044,23196;23290,23412;23988,24257;24350,24487;2
4774,24889;26093,26225;26320,26496;26693,26911;27583,27822;27911,28848

36952 18373,28098 164,564;4901,5149;6735,6832;6973,7123;7212,7
330;7562,7639;7842,8004;8178,8378;9598,9735;10123,10249;10409,10545;10745,10938;
11029,11142;11806,11949;12150,12273;12369,12529;12804,12894;12983,13152;13371,13
488;13579,13841;14233,14830;15565,15738;15876,16038;16320,16480;17272,17439;1752
0,17643;18136,18292;18368,18557;18756,18779;18906,19153;19551,19620;19894,20058;
20378,20518;20807,20935;21030,21203;22166,22327;22403,22606;23044,23196;23290,23
412;23549,23791;23988,24257;24350,24487;24774,24889;26093,26225;26320,26496;2669
3,26911;27583,27822;27911,28846

36952 272,28098 164,564;4901,5149;6735,6832;6973,7123;7212,733
0;7562,7639;7842,8004;8178,8378;9598,9735;10123,10249;10409,10545;10745,10938;11
029,11142;11806,11949;12150,12273;12369,12529;12804,12894;12983,13152;13371,1348
8;13579,13841;14233,14830;15565,15738;15876,16038;16320,16480;17272,17439;17520,
17643;18136,18292;18368,18557;18756,18779;18906,19153;19551,19649;19959,20058;20
378,20518;20807,20935;21030,21203;22166,22327;22403,22606;23044,23196;23290,2341
2;23549,23791;23988,24257;24350,24487;24774,24889;26093,26225;26320,26496;26693,
26911;27583,27792;27911,28846

36953 2851,5525 1,195;2279,3137;4945,5853

36953 2851,5525 2560,3137;4945,5854

36954 29802,105683 1,116;26551,26646;29801,29966;33883,33955;4
1158,41281;44053,44251;103904,104029;105342,105599;105620,105682

36954 29802,134483 29,116;26551,26646;29801,29966;33883,33955;
41158,41281;44053,44251;103904,104029;134414,134683;148512,148782

36954 26630,134483 32,116;26551,26646;29801,29966;33883,33955;
41158,41281;44053,44251;103904,104029;134414,134683;148512,148782

36954 26630,34713 418,462;26551,26646;29801,29966;33883,33955;
34705,34918;41158,41281;44053,44251;103904,104029;105342,105440;118584,118681;12
0739,120791;123509,123571;123675,123716;134414,134683;148512,148782

36954 26630,148634 504,556;26616,26646;29801,29966;33883,33955
;41158,41281;44053,44251;103904,104029;105342,105440;118584,118681;120739,120791
;123509,123571;123675,123716;134414,134683;148512,149247

36954 29802,148634 504,556;26616,26646;29801,29966;33883,33955

;41158,41281;44053,44251;103904,104029;105342,105440;118584,118681;120739,120791
;123509,123571;123675,123716;134414,134683;148512,149247
36954 26558,148634 9,116;26550,26646;29804,29966;33883,33955;4
1158,41281;44053,44251;103904,104029;105342,105440;118584,118681;120739,120791;1
23509,123571;123675,123716;134414,134683;148512,148774
36955 175,378816 1,348;1375,1406;152508,152590;196136,196247;1
99419,199547;256791,256947;258163,258297;276973,277069;287835,287981;318684,3188
57;336270,336361;338518,338580;344790,344928;349111,349191;349460,349567;355090,
355230;378658,380002
36955 175,384113 1,348;1375,1406;152508,152590;196136,196247;1
99419,199547;256791,256947;258163,258297;276973,277069;287835,287981;318684,3188
57;336270,336361;338518,338580;344790,344928;349111,349191;349460,349567;355090,
355230;383961,384241
36955 175,378816 24,348;1375,1406;152508,152590;196136,196247;
199419,199547;256791,256947;258163,258297;276973,277069;287835,287981;318684,318
857;336270,336361;338518,338580;344790,344928;349111,349191;349460,349567;355090
,355230;378658,379639
36956 18760,148202 1,71;18743,19104;33601,33757;58325,58352;70
280,70382;74535,74627;78169,78232;80836,80934;85300,85443;93121,93216;96354,9647
2;97284,97436;99012,99185;100498,100671;103504,103618;106681,106874;108844,10896
5;109069,109138;109282,109442;111775,111883;115121,115252;115343,115549;116824,1
16961;118324,118447;119392,119563;121434,121646;124304,124448;129958,130164;1320
20,132124;132213,132365;132603,132851;135378,135590;135961,136173;136700,136861;
137299,137427;137704,137792;138574,138697;139664,139872;141740,141848;141931,142
103;148171,148201
36956 18760,148202 1,71;18743,19104;33601,33757;58325,58352;70
280,70382;74535,74627;78169,78232;80836,80934;85300,85443;93121,93216;96354,9647
2;97284,97436;99012,99185;100498,100671;103504,103618;106681,106874;108844,10896
5;109069,109138;109282,109442;111775,111883;115121,115252;115343,115549;116824,1
16961;118324,118447;119392,119563;121434,121646;124304,124448;129958,130164;1320
20,132124;132213,132365;132603,132851;135378,135590;135961,136173;136700,136861;
137299,137427;137704,137792;138574,138697;139664,139872;141740,141848;141931,142
103;148171,148209;152889,153875
36956 18760,153022 1,71;18743,19104;33601,33757;58325,58352;70
280,70382;74535,74627;78169,78232;80836,80934;85300,85443;93121,93216;96354,9647
2;97284,97436;99012,99185;100498,100671;103504,103618;106681,106874;108844,10896
5;109069,109138;109282,109442;111775,111883;115121,115252;115343,115549;116824,1
16961;118324,118447;119392,119563;121434,121646;124304,124448;129958,130164;1320
20,132124;132213,132365;132603,132851;135378,135590;135961,136173;136700,136861;
137299,137427;137704,137792;138574,138697;139664,139872;141740,141848;141931,142
103;152889,153875
36957 17,32643 1,321;14845,14970;28067,28174;32576,33722
36958 705,1518 1,236;697,2390
36958 705,1518 29,236;697,2384
36959 3286,29940 1,272;3253,3316;9366,9484;23591,23662;24391,2
4543;24694,24843;25235,25462;26157,26288;26397,26502;26588,26656;26894,27055;277
62,27964;28343,28471;29763,32383
36959 3286,29940 1,272;3253,3316;9366,9484;24391,24543;24694,2
4843;25235,25462;26157,26288;26397,26502;26588,26656;26894,27055;27762,27964;283
43,28471;29763,32383

36959 3286,29940 1,272;3253,3316;9366,9484;24391,24543;24694,24843;25235,25462;26157,26288;26397,26502;26588,26656;26894,27055;27762,27964;28343,28471;29763,32387

36960 118,316358 1,185;2104,2413;6567,6672;155731,155870;165085,165227;170612,170764;171291,171487;178665,178768;207593,207762;223253,223340;223634,223693;224707,224733;227266,227426;228386,228611;228744,228951;231831,231951;235394,235508;236029,236098;236968,237034;237767,237914;240326,240455;245232,245291;247963,248069;249692,249779;250576,250683;250775,250827;252254,252400;254220,254421;256701,256859;258524,258634;266950,267033;274925,274969;275376,275504;277785,277850;279539,279630;280838,280997;281555,281682;281812,281908;284978,285080;286518,286619;291774,291904;305201,305317;306010,306377;307099,307125;308375,308524;309935,310098;313601,313722;314930,315250;316065,316886

36960 118,316358 119,185;2104,2413;6567,6672;155731,155870;165085,165227;170612,170764;171291,171487;177975,178078;207593,207762;223253,223340;224707,224733;227266,227426;228386,228611;228744,228951;231831,231951;235394,235508;236029,236098;236968,237034;237767,237914;240326,240455;245232,245291;247963,248069;249692,249779;250576,250683;250775,250827;252254,252400;254220,254421;256701,256859;258524,258634;266950,267033;274925,274969;275376,275504;277785,277850;279539,279630;280838,280997;281555,281682;281812,281908;284978,285080;286518,286619;291774,291904;305201,305317;306010,306377;307099,307125;308375,308524;309935,310098;313601,313722;314930,315250;316065,316358

36961 459,110882 1,505;43896,44013;54173,54329;60194,60285;66349,66463;75184,75270;98782,98898;110874,111038;112476,112660;129067,129489

36961 459,112522 1,505;43896,44013;54173,54329;60194,60285;66349,66463;75184,75270;98782,98898;110966,111038;112476,112660;129067,129489

36961 114,129166 1,505;43896,44013;54173,54329;60194,60285;66349,66463;75184,75270;98782,98898;112476,112660;129067,129489

36961 459,129166 1,505;43896,44013;54173,54329;60194,60285;66349,66463;75184,75270;98782,98898;112476,112660;129067,129489

36961 33110,129166 33102,33192;43896,44013;54173,54329;60194,60285;66349,66463;75184,75270;98782,98898;112476,112660;129067,129489

36961 34917,129166 34855,34936;43896,44013;54173,54329;60194,60285;66349,66463;75184,75270;98782,98898;112476,112660;129067,129489

36961 459,112522 401,505;43896,44013;54173,54329;60194,60285;66349,66463;75184,75270;98782,98898;110966,111038;112476,112660;129066,129489

36961 8096,129166 7949,8268;43896,44013;54173,54329;60194,60285;66349,66463;75184,75270;98782,98898;112476,112660;129067,129489

36962 43158,44238 1,250;10067,10150;32303,32360;43112,45124

36962 43158,44238 1,250;10067,10150;43112,45124

36962 43158,44238 1,250;32303,32360;43112,45124

36962 43158,44238 1,250;43112,45124

36962 43158,44238 41921,42079;43112,45124

36962 43158,44238 41923,42079;43112,45124

36963 96,5411 1,206;287,447;3894,3994;4610,4750;5262,5800

36963 96,5411 1,206;287,447;3894,3994;4610,4750;5262,5801

36964 680,76418 1,1052;30297,30408;40272,40345;41002,41124;44084,44182;50002,50097;76341,77542

36964 680,76418 525,1052;30297,30408;40272,40345;41002,41124;44084,44182;50002,50097;76341,77538

36965 32059,84314 1,168;32040,32254;38042,38204;40659,40810;50

157,50237;50726,50875;54330,54473;54579,54677;55405,55581;60910,61161;63889,63990;64661,64750;71030,71186;82157,82255;82785,82818;84314,86203
36965 32059,84666 1,168;32040,32254;38042,38204;40659,40810;50
157,50237;50726,50875;54330,54473;54579,54677;55405,55581;60910,61161;63889,63990;64661,64750;71030,71186;82157,82255;84314,86203
36965 32059,84314 1,168;32040,32254;38042,38204;40659,40810;50
157,50237;50726,50875;54330,54473;54579,54677;55405,55581;60910,61254;63889,63990;64661,64750;71030,71186;82157,82255;82785,82818;84314,86205
36965 32059,84666 1,168;32040,32254;38042,38204;40659,40810;50
157,50237;50726,50875;54330,54473;54579,54677;55405,55581;60910,61254;63889,63990;64661,64750;71030,71186;82157,82255;84314,86203
36965 32059,84666 1,168;32040,32254;38042,38204;40659,40810;50
157,50237;50726,50875;54330,54473;54579,54677;55405,55581;60910,61254;63889,63990;64661,64750;71030,71186;82157,82255;84314,86205
36965 32059,84314 294,978;24116,24273;32040,32254;38042,38204;
40659,40810;50157,50237;50726,50875;54330,54473;54579,54677;55405,55581;60910,61254;63889,63990;64661,64750;71030,71186;82157,82255;82785,82818;84314,86200
36965 65472,82819 65473,65577;71030,71186;82157,82255;82785,82819
36966 69,12389 1,71;4693,4842;11257,11370;12036,12095;12287,12668
36966 69,12389 1,71;4693,4842;12036,12095;12287,12668
36967 64929,189891 1,160;64891,65016;67418,67969;76419,76587;76682,76898;79250,79423;80564,80645;80766,80770;83041,83124;90598,90660;105564,105617;105709,105762;121398,121451;121927,121984;123131,123132;123255,123308;123432,123485;146022,146075;169974,170018;172015,172068;173262,173315;176749,176802;178430,178501;180217,180252;182925,182969;185866,185898;186510,186656;186752,186806;187329,187529;188305,188382;189703,190956
36967 64929,189891 3,160;64891,65016;67418,67969;76419,76587;76682,76898;79250,79423;80564,80641;82725,82733;83041,83124;90598,90660;105564,105617;105709,105762;121398,121451;121927,121980;123255,123308;123432,123485;146022,146075;169974,170018;172015,172068;173262,173315;176749,176802;178430,178501;180217,180252;182925,182969;185866,185898;186510,186656;186752,186806;187329,187529;188305,188382;189703,190956
36968 75,14302 1,227;3639,3754;5096,5141;6875,7003;9109,9154;9251,9352;9476,9548;14124,15824
36968 75,14302 1,227;3639,3754;5096,5141;6875,7003;9109,9154;9251,9352;9476,9548;14124,15827
36969 455,42982 1,207;454,593;6692,6804;8429,8555;9618,9714;15264,15404;17941,18029;19335,19450;20560,20698;20855,20949;21937,22039;25658,25761;26505,26625;33257,33361;33833,33970;37436,37528;38131,38347;38556,38743;39723,39841;42901,43166
36969 455,42982 13,207;454,593;6692,6804;8429,8555;9618,9714;15264,15404;17941,18029;19335,19450;20560,20698;20855,20949;21937,22039;25658,25761;26505,26625;33257,33361;33833,33970;37436,37528;38131,38347;38556,38743;39723,39841;42901,43166
36969 455,42982 13,207;454,593;6692,6804;8429,8555;9618,9714;15264,15404;17941,18029;19335,19450;20560,20698;20855,20949;21937,22039;25658,25761;26505,26625;33257,33361;33833,33970;38131,38347;38556,38743;39723,39841;42901,43164

36969 455,42982 23,207;453,593;6692,6804;8429,8555;9618,9714;1
5264,15404;17941,18074;19335,19450;20560,20698;20855,20949;21937,22039;25658,257
61;26505,26625;38131,38347;38556,38743;39723,39841;42901,43167

36970 1214,25346 1,66;522,843;1191,1617;5160,5257;19342,19754;
24192,24356;24821,25465

36970 1214,25346 959,1617;5160,5257;19342,19754;24192,24356;24
821,26942

36971 55,60252 1,128;17982,18105;20152,20330;23723,23866;28450
,28601;43932,44113;53776,53944;54910,55091;56992,57143;60107,64294

36972 25437,150727 1,157;25427,25605;33676,33794;50281,50395;5
1356,51414;53796,53875;59948,60014;74075,74197;74594,74725;80377,80475;82264,824
37;115739,115921;150616,150861

36972 25437,150727 11,69;25427,25605;33676,33794;50281,50395;5
1356,51414;53796,53875;59948,60014;74075,74197;74594,74725;80377,80475;82264,824
37;115739,115921;150616,150864

36972 25437,150727 33,69;25427,25605;33676,33794;50281,50395;5
1356,51414;53796,53875;59948,60014;74075,74197;74594,74725;80377,80475;82264,824
37;115739,115921;150616,151265

36973 172767,234692 1,215;20335,20457;29498,29583;30904,30978;
56212,56323;63540,63625;64784,64928;79061,79122;79225,79269;80470,80543;80658,80
721;83523,83621;85764,85886;94152,94233;116922,117028;158488,158650;172672,17282
8;201670,201745;216591,216725;218035,218132;219675,219857;225387,225494;226372,2
26461;227417,227543;230425,230541;231168,231291;232715,232805;234589,234783

36973 172767,234692 125638,126248;158488,158650;172672,172828;
201670,201745;216591,216725;218035,218132;219675,219857;225387,225494;226372,226
461;227417,227543;230425,230541;231168,231291;232715,232805;234589,235821

36973 20337,234692 44,215;20335,20457;29498,29583;30904,30978;
56212,56323;63540,63625;64784,64928;79061,79122;79225,79269;80470,80543;80658,80
721;83523,83621;85764,85886;94152,94233;116922,117028;158488,158650;172672,17282
8;201670,201745;216591,216725;218035,218096;219708,219857;225387,225494;226372,2
26461;227417,227543;230425,230541;231168,231291;232715,232805;234589,235821

36973 20337,234692 44,215;20335,20457;29498,29583;30904,30978;
56212,56323;63540,63625;64784,64928;79061,79122;79225,79269;80470,80543;80658,80
721;83523,83621;85764,85886;94152,94233;116922,117028;158488,158650;172672,17282
8;201670,201745;216591,216725;218035,218132;219675,219857;225387,225494;226372,2
26461;227417,227543;230425,230541;231168,231291;232715,232805;234589,235821

36973 30929,39846 82,297;20334,20457;29497,29583;30903,30978;3
9359,40744

36974 223,19204 1,476;1660,2004;10290,10409;13270,13326;13891,
14037;17704,17877;18024,18083;18181,18312;18454,19079;19169,19307

36974 367,19204 1,476;1660,2004;10290,10409;13270,13326;13891,
14037;17704,17877;18024,18083;18181,18312;18454,19079;19169,19307

36974 223,19204 1,476;1660,2004;10290,10409;13891,14037;17704,
17877;18024,18083;18181,18312;18454,19079;19169,19307

36974 223,19204 1,476;1660,2004;10290,10409;17704,17877;18024,
18083;18181,18312;18454,19079;19169,19307

36974 223,19204 224,375;1670,2004;10290,10409;13270,13326;1389
1,14037;17704,17877;18184,18312;18454,19079;19169,19305

36975 60,24015 1,103;190,293;13742,13796;14297,14388;17419,175
33;20355,20516;23115,23188;23884,24137;24206,25667

36975 60,24015 61,103;190,293;13742,13796;14297,14388;17419,17
533;20355,20516;23115,23188;23884,24952

36976 1705,6897 1,105;234,442;1498,1777;1881,1962;2522,2694;29
61,3072;4172,4317;4580,4738;5017,5178;5484,5648;6272,6406;6808,10867

36976 1705,6897 744,1030;1498,1777;1881,1962;2522,2694;2961,30
72;4172,4317;4580,4738;5017,5178;5484,5648;6272,6406;6808,10867

36977 285,35055 1,38;279,407;1364,1454;1802,1870;3602,3721;125
22,12605;12754,12900;13953,14024;14537,14581;16485,16538;28267,28327;28747,28790
;28933,29085;31320,31449;31600,31676;34226,34354;34575,34650;34738,34804;34920,3
5346

36977 285,35055 183,407;1364,1454;1802,1870;3602,3721;12522,12
605;12754,12900;13953,14024;14537,14581;16485,16538;28267,28327;28747,28790;2893
3,29085;31320,31449;31600,31676;34226,34354;34575,34650;34738,34804;34920,35350

36978 251,54046 1,100;251,313;34970,35074;39014,39143;40013,40
045;41335,41465;46026,46144;47643,47755;48079,48189;51038,51114;54001,56717

36978 251,54046 19,100;251,313;34970,35074;39014,39143;40013,4
0045;41335,41465;46026,46144;47643,47755;48079,48189;51038,51114;54001,56717

36979 167,49998 1,206;463,551;4686,4765;8291,8329;17053,17163;
17589,17678;18361,18481;18568,18729;20278,20379;20907,21021;22112,22228;22327,22
514;25500,25611;26982,27091;28992,29127;34868,34978;35625,35790;36045,36280;4673
0,46846;47907,47991;48614,48741;49573,49684;49874,51429

36979 167,49998 3,206;463,551;4686,4765;8291,8329;17053,17163;
17589,17678;18361,18481;18568,18729;20278,20379;20907,21021;22112,22228;22327,22
514;25500,25611;26982,27091;28992,29127;34868,34978;35625,35790;36045,36289;4657
0,46587;46733,46846;47907,47991;48614,48741;49573,49684;49874,52279

36979 167,49998 3,206;472,551;4686,4765;8291,8329;17053,17163;
17589,17678;18361,18481;18568,18729;20278,20379;20907,21021;22112,22228;22327,22
514;25500,25611;26982,27091;28992,29127;34868,34978;35625,35790;36045,36280;4407
2,44095;46730,46846;47907,47991;48614,48741;49573,49684;49874,52279

36979 167,49998 3,206;472,551;4686,4765;8291,8329;17053,17163;
17589,17678;18361,18481;18568,18729;20278,20379;20907,21021;22112,22228;22327,22
514;25500,25611;26982,27091;28992,29127;34868,34978;35625,35790;36045,36280;4673
0,46846;47907,47991;48614,48741;49573,49684;49874,52279

36980 241,98479 1,359;59836,60018;61643,61832;68554,68670;7887
4,78988;79294,79425;94700,94809;98362,98487;103442,104387;104458,104483;104561,1
05092

36980 241,98479 1,359;59836,60018;61643,61832;68554,68670;7887
4,78988;79294,79425;94700,94809;98362,98639

36980 241,98479 241,359;59836,60018;61643,61832;68554,68670;78
874,78988;79294,79425;94700,94809;98362,98487;103442,105098

36981 124,97053 1,375;91426,91599;93478,93637;96880,98646

36981 124,97053 52,375;91426,91599;93478,93637;96880,98648

36981 91579,97053 689,857;91426,91599;93478,93637;96880,98648

36981 88387,97053 88173,88473;91426,91599;93478,93637;96880,98
648

36982 80,14180 1,254;2796,2879;4487,4558;6346,6384;11991,12047
;13441,13536;14133,15942

36982 80,13608 14,254;2796,2879;4487,4558;6346,6384;11991,1204
7;13441,15938

36982 80,13608 2,254;2796,2879;4487,4558;11991,12047;13441,159

42

36982	80,13608	2,254;2796,2879;4487,4558;6346,6384;13441,15942
36983	238,7197	1,242;6494,8333
36983	238,7197	1,242;6494,8338
36983	2708,7197	2247,3273;6494,8338
36983	2708,7197	2277,3273;6494,8338
36983	6564,7197	528,851;6494,8333
36983	6564,7197	528,851;6494,8338
36983	1414,7197	543,1550;6494,8333
36983	1414,7197	543,1550;6494,8338
36984	262660,391429	100042,100222;186151,186276;262659,262727; 272645,272725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325 014;327475,327599;334277,334360;354980,355067;358515,358612;364969,365082;370650 ,370746;381923,382082;384403,384492;386235,386403;388753,388885;391412,391460;39 4449,398085
36984	262660,391429	1,198;186151,186276;262659,262727;272645,2 72725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325014;3274 75,327599;334277,334360;344778,344855;345429,345521;354980,355067;358515,358612; 364969,365082;370650,370746;381923,382082;384403,384492;386235,386403;388753,388 885;391412,391460;394449,398085
36984	262660,335755	1,198;186152,186276;262660,262727;272645,2 72725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325014;3274 75,327599;331951,331959;334277,334360;335725,336012
36984	262660,372845	1,198;186152,186276;262660,262727;272645,2 72725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325014;3274 75,327599;331951,331959;334277,334360;354980,355067;358515,358612;364969,365082; 370650,370746;372795,374089
36984	262660,391429	1,198;186152,186276;262660,262727;272645,2 72725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325014;3274 75,327599;331951,331959;334277,334360;354980,355067;358515,358612;364969,365082; 370650,370746;381923,382082;384403,384492;386235,386403;388753,388885;391412,391 460;394450,398085
36984	262660,372845	216956,217129;262660,262727;272645,272725; 300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325014;327475,327 599;334277,334360;344778,344855;345429,345521;354980,355067;358515,358612;364969 ,365082;370650,370746;372795,374089
36984	262660,391429	216968,217129;236146,236230;262659,262727; 272645,272725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325 014;327475,327599;334277,334360;344778,344855;345429,345521;354980,355067;358515 ,358612;364969,365082;370650,370746;381923,382082;384403,384492;386235,386403;38 8753,388885;391412,391460;394449,398085
36984	262660,372845	216968,217129;236147,236230;262660,262727; 272645,272725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325 014;327475,327599;331951,331959;334277,334360;344778,344855;345429,345521;354980 ,355067;358515,358612;364969,365082;370650,370746;372795,374089
36984	262660,391429	216968,217129;236147,236230;262660,262727; 272645,272725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325 014;327475,327599;331951,331959;334277,334360;344778,344855;345429,345521;354980 ,355067;358515,358612;364969,365082;370650,370746;381923,382082;384403,384492;38 6235,386403;388753,388885;391412,391460;394450,398085

36984 262660,372845 216968,217129;236147,236230;262660,262727;
272645,272725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325
014;327475,327599;334277,334360;344778,344855;345429,345521;354980,355067;358515
,358612;364969,365082;370650,370746;372795,374089
36984 262660,335755 262661,262727;272645,272725;300721,300934;
312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325014;327475,327599;334277,334
360;335725,335755
36984 327552,391429 325052,325331;327475,327599;334277,334360;
344778,344855;354980,355067;358515,358612;364969,365082;370650,370746;381923,382
082;384403,384492;386235,386403;388753,388885;391412,391460;394450,398085
36984 327552,372845 325052,325331;327475,327599;334277,334360;
354980,355067;358515,358612;364969,365082;370650,370746;372795,374089
36985 122,21526 1,244;10789,10972;12396,12494;13860,13984;1667
1,16844;19100,19259;21434,22522
36985 122,21526 23,244;10789,10972;12396,12494;13860,13984;166
71,16844;19100,19259;21434,22519
36986 51,20483 1,116;249,447;662,863;1073,1143;1222,1310;1529,
1611;1782,1878;2017,2122;2220,2352;9136,9251;9351,9530;9676,9858;9991,10176;1033
0,10488;10740,10866;11034,11108;11369,11566;11658,11769;11860,11930;12189,12328;
12442,12651;12896,12947;13049,13138;13274,13483;13663,13738;13899,14055;14151,14
267;14373,14544;14772,15004;15087,15254;15648,15707;16757,16850;16948,17134;1724
9,17339;17430,17504;18996,19098;19264,19353;19439,19537;19720,19803;20066,20198;
20342,20483
36986 51,20483 1,116;249,447;662,863;1073,1143;1222,1310;1529,
1611;1782,1878;2017,2122;2220,2352;9136,9251;9351,9530;9676,9858;9991,10176;1033
0,10488;10740,10866;11034,11108;11369,11566;11658,11769;11860,11930;12189,12328;
12442,12651;12896,12947;13049,13138;13274,13483;13663,13738;13899,14055;14151,14
267;14373,14544;14772,15004;15087,15254;15648,15707;16757,16850;16948,17134;1724
9,17339;17430,17504;18996,19098;19264,19353;19439,19537;19720,19803;20066,20198;
20342,20623
36987 51,20484 1,116;249,447;662,863;1073,1143;1222,1310;1529,
1611;1782,1878;2017,2122;2220,2352;9136,9251;9351,9530;9676,9858;9991,10176;1033
0,10488;10740,10866;11034,11108;11369,11566;11658,11769;11860,11930;12189,12328;
12442,12651;12896,12947;13049,13138;13274,13483;13663,13738;13899,14055;14151,14
267;14373,14544;14773,15005;15088,15255;15649,15708;16758,16851;16949,16962;1697
2,17135;17250,17340;17431,17505;18997,19099;19265,19354;19440,19538;19721,19804;
20067,20199;20343,20624
36987 51,20484 52,116;249,447;662,863;1073,1143;1222,1310;1529
,1611;1782,1878;2017,2122;2220,2352;9136,9251;9351,9530;9676,9858;9991,10176;103
30,10488;10740,10866;11034,11108;11369,11566;11658,11769;11860,11930;12189,12328
;12442,12651;12896,12947;13049,13138;13274,13483;13663,13738;13899,14055;14151,1
4267;14373,14544;14773,15005;15088,15255;15649,15708;16758,16851;16955,17135;172
50,17340;17431,17505;18997,19099;19265,19354;19440,19538;19721,19804;20067,20199
;20343,20624
36988 139627,498121 1,132;139594,140060;189703,189910;234528,2
34735;320665,320776;384133,384224;420739,420940;497750,497835;497840,498220
36988 139627,497913 1,132;139594,140060;189703,189910;234528,2
34735;320665,320776;384133,384224;420739,420940;497750,498220
36988 139627,497913 1,132;139594,140060;189703,189910;234528,2
34735;320665,320776;384133,384224;420739,420940;497750,498224

36989	298,79832	1,405;63313,63400;64306,64408;64589,64697;7744 8,77566;79744,80418
36989	298,79832	298,405;63313,63400;64306,64408;64589,64697;77 448,77566;79744,79831
36990	2068,3259	1,491;2048,4851
36990	2068,3259	20,683,258
36991	39,420	11,195
36991	39,420	40,469
36992	412,172758	1,490;21301,21463;27500,27646;30565,30690;346 36,34826;35421,35575;108195,108310;122520,122655;126967,127150;142329,142463;172 669,172837
36992	412,172758	413,490;21301,21463;27500,27646;30565,30690;3 4636,34826;35421,35575;108195,108310;122520,122655;126967,127150;142329,142463;1 72669,174162
36993	682,6787	1,107;683,751;4037,4150;4465,4666;5896,5952;674 1,7043
36993	682,6787	1,107;683,751;4037,4150;4465,4666;5896,5952;674 1,7048
36993	216,6787	217,348;683,751;4037,4150;4465,4666;5896,5952;6 741,7043
36994	0,381	1,437
36995	0,381	1,435
36996	536,156814	1,830;20482,20551;34463,34470;70297,70323;732 41,73276;78616,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814 ;93663,93689;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,1164 30;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917, 123994;126735,126749;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133 463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837 ;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260
36996	536,156814	1,830;20482,20551;34463,34470;70297,70323;732 41,73276;78616,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814 ;93663,93689;95588,95644;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446 ;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,12 3120;123917,123985;127019,127045;127050,127112;128156,128200;128513,128665;13067 3,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;1 43784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260
36996	536,156814	1,830;20482,20551;34463,34470;70297,70323;732 41,73276;78616,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814 ;93663,93689;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;1 15402,115446;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,1219 68;123076,123120;123917,123985;127019,127045;127050,127112;128156,128200;128513, 128665;130673,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142 238,142291;143784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260
36996	536,156814	1,830;20482,20551;34463,34470;70297,70323;732 41,73276;78616,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814 ;93663,93689;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;1 15402,115446;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,1219 68;123076,123120;123917,123985;127019,127045;127050,127112;128156,128200;128513, 128665;130673,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;142238,142291;143 784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

36996 536,156814 1,830;20482,20551;34463,34470;70297,70323;732
41,73276;78616,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814
;93663,93689;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;1
15402,115446;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,1219
68;123076,123120;123917,123985;127019,127045;127050,127112;128156,128200;128513,
128665;130673,130717;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143
784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

36996 536,156814 1,830;20482,20551;34463,34470;70297,70323;732
41,73276;78616,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814
;93663,93689;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;1
15402,115446;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,1219
68;123076,123120;123917,123985;127019,127045;127050,127112;128156,128200;128513,
128665;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143
784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

36996 536,156814 1,830;20482,20551;34463,34470;70297,70323;786
16,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689
;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446
;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,12
3120;123917,123985;127019,127045;127050,127112;128156,128200;128513,128665;13067
3,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;1
43784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

36996 785,156814 1,830;20482,20551;39118,39125;70297,70323;732
41,73276;78616,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814
;93663,93689;95588,95644;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446
;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,12
3120;123917,123994;126735,126749;127050,127112;128156,128200;128513,128665;13067
3,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;1
43784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

36996 536,156814 1,830;20482,20551;58385,58392;70297,70323;732
41,73276;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689
;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446
;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,12
3120;123917,123985;127019,127045;127050,127112;128156,128200;128513,128665;13067
3,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;1
43784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

36996 536,156814 1,830;20482,20551;58385,58392;70297,70323;855
69,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689;95588,95644
;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,1164
30;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,
123985;127019,127045;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133
463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837
;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

36996 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;73241,73276;786
16,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689
;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,116430;117175,11
7201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,123985;12520
0,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133463,133504;1
34869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837;145420,1454
55;150995,151081;155117,155155;156812,157260

36996 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;73241,73276;786

16,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689
;95588,95644;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,1164
30;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,
123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133
463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837
;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

36996 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;73241,73276;786
16,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689
;95588,95644;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,1164
30;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,
123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;133463,133504;134
869,134895;135748,135828;142238,142291;143784,143837;145420,145455;150995,151081
;155117,155155;156812,157260

36996 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;73241,73276;786
16,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689
;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446
;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,12
3120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;13067
3,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;1
43784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

36996 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;73241,73276;786
16,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689
;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446
;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,12
3120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;13067
3,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;142238,142291;143784,143837;1
45420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

36996 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;73241,73276;786
16,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689
;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446
;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,12
3120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;13067
3,130717;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837;1
45420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

36996 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;73241,73276;786
16,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689
;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446
;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,12
3120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;13067
3,130717;134869,134895;135748,135828;142238,142291;143784,143837;145420,145455;1
50995,151081;155117,155155;156812,157260

36996 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;73241,73276;786
16,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689
;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446
;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,12
3120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;13346
3,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837;1
45420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

36996 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;73241,73276;786
16,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689

;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446
;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,12
3120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;13346
3,133504;134869,134895;135748,135828;142238,142291;143784,143837;145420,145455;1
50995,151081;155117,155155;156812,157260
36996 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;73241,73276;786
16,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689
;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,1164
30;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,
123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133
463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837
;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260
36996 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;73241,73276;786
16,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689
;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,1164
30;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,
123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133
463,133504;134869,134895;135748,135828;142238,142291;143784,143837;145420,145455
;150995,151081;155117,155155;156812,157260
36996 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;73241,73276;855
69,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689;95588,95644
;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,1164
30;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,
123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133
463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837
;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260
36996 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;78616,78666;855
69,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689;100861,1009
68;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,116430;117175,117201;119995,
120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,123985;125200,125223;127
050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133463,133504;134869,134895
;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837;145420,145455;150995,15
1081;155117,155155;156812,157260
36996 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;78616,78666;855
69,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689;95588,95644
;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,1164
30;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,
123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133
463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837
;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260
36996 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;85569,85604;864
17,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689;95588,95644;100861,1009
68;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,116430;117175,117201;119995,
120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,123985;125200,125223;127
050,127112;128156,128200;128513,128665;133463,133504;134869,134895;135748,135828
;142238,142291;143784,143837;145420,145455;155117,155155;156812,157260
36996 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;85569,85604;864
17,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689;95588,95644;96810,96875
;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,116430;117175,11
7201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,123985;12520

0,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

36996 536,156814 1,830;20482,20551;78608,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

36996 536,156814 1,830;20482,20551;85561,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689;95588,95644;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

36996 536,156814 1,830;20482,20551;85561,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

36997 0,381 1,381

36997 0,381 1,425

36998 0,381 1,381

36999 19,331 1,374

36999 19,331 20,375

37000 1,313 1,312

37000 1,313 1,354

37001 1,388 1,387

37001 1,388 1,439

37002 291,225876 1,1269;128153,128203;142653,142901;145322,145458;160160,160266;174399,174609;175352,175425;186914,187062;187856,187993;188938,189049;191198,191311;200043,200242;215259,215462;217421,217582;223722,223974;225677,227020

37003 1,66929 1,124;4835,5051;5617,5739;6637,6874;7610,7840;9116,9238;9739,9834;10422,10691;11704,11856;13329,13456;13667,13748;15050,15226;15893,16052;16322,16680;19212,19407;23171,23338;24450,24595;25017,25083;26274,26488;30411,30622;31364,31546;34998,35170;35515,35663;36416,36491;37308,37406;37993,38126;38313,38481;39821,40049;40705,40896;41190,41266;41428,41582;42810,42855;45317,45604;47344,47599;47796,47926;48757,48971;49048,49336;49469,49571;50732,51278;51964,52564;53412,53533;53645,53801;55076,55208;55475,55677;56269,56396;57698,57794;60425,60580;61157,61402;61783,61900;62541,62681;63570,63857;63985,64090;64736,64853;65540,65721;66040,66230;66826,67048

37003 63649,66929 38330,38481;39821,40049;40705,40883;41177,41266;41428,41582;42810,42855;45317,45604;47344,47599;47796,47926;48757,48971;49048,49336;49469,49571;50732,51278;51964,52564;53412,53533;53645,53801;55076,55208;55475,55677;56269,56396;57698,57794;60425,60580;61157,61402;61783,61900;62541,62

681;63570,63857;63985,64090;64736,64853;65540,65721;66040,66197;66297,66431;66826,67446

37003 38328,67191 6637,6874;7610,7840;9116,9238;9739,9834;10422,10691;11704,11856;13329,13456;13667,13748;15050,15226;15893,16052;16322,16680;19212,19407;23171,23338;24453,24595;25017,25083;26274,26488;30411,30622;31364,31546;34998,35170;35515,35663;36416,36491;37308,37406;37993,38126;38313,38481;39821,40049;40705,40896;41190,41266;41428,41582;42810,42855;45317,45604;47344,47599;47796,47926;48757,48971;49048,49336;49469,49571;50732,51278;51964,52564;53412,53533;53645,53801;55076,55208;55475,55677;56269,56396;57698,57794;60425,60580;61157,61402;61783,61900;62541,62681;63570,63857;63985,64090;64736,64853;65540,65721;66040,66230;66826,66868;66873,67190

37004 14151,80745 1,107;14149,14388;16183,16308;22086,22226;22610,22756;24234,24367;24540,24684;24763,24917;25521,25656;27048,27149;28333,28470;29193,29303;29890,29967;30105,30260;30488,30692;31199,31380;31693,31936;32132,32254;33159,33376;35017,35109;36220,36354;38888,39036;40394,40453;41586,41784;45811,45915;46374,46397;47491,47526;50954,51001;51737,51828;52445,52589;52707,52888;55015,55114;55263,55460;55541,55687;56285,56388;56533,56695;59125,59256;59520,59657;60792,60896;63043,63251;65051,65171;65398,65519;66282,66414;68569,68667;71739,71898;72514,72590;73180,73389;73802,74098;74797,74909;75336,75353;77732,77786;79538,79734;79842,79895;79983,80129;80219,80366;80620,81069

37004 14151,80745 1,107;14149,14388;16183,16308;22086,22230;22614,22756;24234,24367;24540,24684;24763,24917;25521,25656;27048,27149;28333,28470;29193,29303;29890,29967;30105,30260;30488,30692;31199,31380;31693,31936;32132,32254;33159,33376;35017,35109;36220,36378;38888,39036;40394,40453;41586,41784;45811,45915;46374,46397;47491,47526;50954,51001;51737,51828;52445,52589;52707,52888;55015,55114;55263,55460;55541,55687;56285,56388;56533,56695;59125,59256;59520,59657;60792,60896;63043,63251;65051,65171;65398,65519;66282,66414;68569,68667;71739,71898;72514,72590;73180,73389;73802,74098;74797,74909;77698,77715;77732,77786;79538,79734;79842,79895;79983,80129;80219,80366;80620,81069

37004 14151,80745 18,107;14149,14388;16183,16308;22086,22226;22610,22756;24234,24367;24540,24684;24763,24917;25521,25656;27048,27149;28333,28470;29193,29303;29890,29967;30105,30260;30488,30692;31199,31380;31693,31936;32132,32254;33159,33376;35017,35109;36220,36354;38888,39036;40394,40453;41586,41784;45811,45915;46374,46397;47491,47526;50954,51001;51737,51828;52445,52589;52707,52888;55015,55114;55263,55460;55541,55687;56285,56388;56533,56695;59125,59256;59520,59657;60792,60896;63043,63251;65051,65171;65398,65519;66282,66414;68569,68667;71739,71898;72514,72590;73180,73389;73802,74098;74797,74909;75336,75353;77732,77786;79538,79734;79842,79895;79983,80129;80219,80366;80620,81004

37005 165,162363 1,457;68647,68895;70318,70415;73230,73377;86437,86555;87742,87819;89416,89578;90312,90509;93804,93941;95560,95686;96681,96817;98281,98474;100059,100172;100780,100923;101177,101300;101611,101771;103392,103482;103750,103919;110473,110590;112842,113104;114694,115291;115933,116106;117182,117344;118203,118363;122342,122509;124409,124532;126217,126373;127580,127769;129883,130130;133459,133530;134251,134353;135074,135214;137522,137650;138421,138594;139807,139965;140250,140453;141451,141603;141706,141828;144976,145242;146392,146529;147561,147676;151155,151287;154755,154931;160041,160259;161191,161394;162176,163849

37005 165,162363 1,457;68647,68895;70318,70415;73230,73377;86437,86555;87742,87819;89416,89578;90312,90509;93804,93941;95560,95686;96681,96817;98281,98474;100059,100172;100780,100923;101177,101300;101611,101771;103392,1034

82;103750,103919;110473,110590;112842,113104;114694,115291;115933,116106;117182,117344;118203,118363;122342,122509;124409,124532;126217,126373;127580,127769;129883,130130;133459,133530;134251,134353;135074,135214;137522,137650;138421,138594;139807,139965;140250,140453;141451,141607;141710,141828;144976,145242;146392,146529;147561,147676;151155,151287;154755,154931;160041,160259;161191,161394;162176,163849

37005 165,162363 166,457;68647,68895;70318,70415;73230,73377;86437,86555;87742,87819;89416,89578;90312,90509;93804,93941;95560,95686;96681,96817;98281,98474;100059,100172;100780,100923;101177,101300;101611,101771;103392,103482;103750,103919;110473,110590;112842,113104;114694,115291;115933,116106;117182,117344;118203,118363;122342,122509;124409,124532;126217,126373;127580,127769;129883,130130;133459,133530;134251,134353;135074,135214;137522,137650;138421,138594;139807,139965;140250,140453;141451,141603;144976,145242;146392,146529;147561,147676;151155,151287;154755,154931;160041,160259;161191,161394;162176,163849

37005 165,144991 166,457;68647,68895;70318,70415;73230,73377;86437,86555;87742,87819;89416,89578;90312,90509;93804,93941;95560,95686;96681,96817;98281,98474;100059,100172;100780,100923;101177,101300;101611,101771;103392,103482;103750,103919;110473,110590;112842,113104;114694,115291;115933,116106;117182,117344;118203,118363;122342,122509;124409,124532;126217,126373;127580,127769;129883,130130;133459,133530;134251,134353;135074,135214;137522,137650;138421,138594;139807,139965;140250,140453;141451,141607;141710,141828;144309,144378;144976,145242;146392,146529;147561,147676;151155,151287;154755,154931;160041,160259;161191,161394;162176,162375

37005 165,162363 35,457;68647,68895;70318,70415;73230,73377;86437,86555;87742,87819;89416,89578;90312,90509;93804,93941;95560,95686;96681,96817;98281,98474;100059,100172;100780,100923;101177,101300;101611,101771;103392,103482;103750,103919;110473,110590;112842,113104;114694,115291;115933,116106;117182,117344;118203,118363;122342,122509;124409,124532;126217,126373;127580,127769;129883,130130;133459,133530;134251,134353;135074,135214;137522,137650;138421,138594;139807,139965;140250,140453;141451,141603;141706,141828;144976,145242;146392,146529;147561,147676;151155,151287;154755,154931;160041,160259;161191,161394;162176,163849

37005 165,162363 35,457;68647,68895;70318,70415;73230,73377;86437,86555;87742,87819;89416,89578;90312,90509;93804,93941;95560,95686;96681,96817;98281,98474;100059,100172;100780,100923;101177,101300;101611,101771;103392,103482;103750,103919;110473,110590;112842,113104;114694,115291;115933,116106;117182,117344;118203,118363;122342,122509;124409,124532;126217,126373;127580,127769;129883,130130;134251,134353;135074,135214;137522,137650;138421,138594;139807,139965;140250,140453;141451,141607;141710,141828;144976,145242;146392,146529;147561,147676;151155,151287;154755,154931;160041,160259;161191,161394;162176,163849

37006 177,1248 11,634

37006 177,1248 31,634

37007 29997,52455 1134,1286;29997,30080;32165,32260;33785,34059;34641,34724;35702,35848;42864,42960;47961,48124;48474,48604;49424,49584;49950,50042;51856,52107;52290,53619

37007 1275,52455 1141,1286;29997,30080;32165,32260;33785,34059;34641,34724;35702,35848;42864,42960;47961,48124;48474,48604;49424,49584;49950,50042;51856,52107;52290,53622

37007 2,52455 1,51;1202,1286;29997,30080;32165,32260;33785,34059;34641,34724;35702,35848;42864,42960;47961,48124;48474,48604;49424,49584;49950

,50042;51856,52107;52290,53619

37007 1275,52455 5,51;1202,1286;29997,30080;32165,32260;33785,
34059;34641,34724;35702,35848;42864,42960;47961,48124;48474,48604;49424,49584;49
950,50042;51856,52107;52290,53619

37008 29997,52455 1134,1286;29997,30080;32165,32260;33785,3405
9;34641,34724;35702,35848;42864,42960;47961,48124;48474,48604;49424,49584;49950,
50042;51856,52107;52290,53619

37008 1275,52455 1141,1286;29997,30080;32165,32260;33785,34059
;34641,34724;35702,35848;42864,42960;47961,48124;48474,48604;49424,49584;49950,5
0042;51856,52107;52290,53622

37008 2,52455 1,51;1202,1286;29997,30080;32165,32260;33785,340
59;34641,34724;35702,35848;42864,42960;47961,48124;48474,48604;49424,49584;49950
,50042;51856,52107;52290,53619

37008 1275,52455 5,51;1202,1286;29997,30080;32165,32260;33785,
34059;34641,34724;35702,35848;42864,42960;47961,48124;48474,48604;49424,49584;49
950,50042;51856,52107;52290,53619

37009 136,18586 1,302;974,1037;11061,11094;13770,13859;14213,1
4515;14751,14833;18352,18617;19552,19913

37009 136,18586 17,196;201,227;232,258;263,302;974,1037;11061,
11094;13770,13859;14213,14395;14400,14432;14437,14457;14462,14515;14751,14798;14
803,14833;18352,18365;18368,18617;19552,19921

37009 136,18586 24,302;974,1037;11061,11094;13770,13859;14213,
14515;14751,14833;18352,18617;19552,19920

37010 136,18586 1,302;974,1037;11061,11094;13770,13859;14213,1
4515;14751,14833;18352,18617;19552,19913

37010 136,18586 17,196;201,227;232,258;263,302;974,1037;11061,
11094;13770,13859;14213,14395;14400,14432;14437,14457;14462,14515;14751,14798;14
803,14833;18352,18365;18368,18617;19552,19921

37010 136,18586 24,302;974,1037;11061,11094;13770,13859;14213,
14515;14751,14833;18352,18617;19552,19920

37011 26,53372 1,92;5479,5520;5618,5688;7634,7767;10267,10405;
12343,12462;14328,14430;29446,29568;30060,30178;31995,32051;34732,34841;40425,40
559;43301,43472;46844,46930;49389,49529;49983,50051;50849,51044;52197,52311;5299
3,53138;53226,53981

37012 460,42315 1,617;12054,12250;18148,18347;20367,20457;2293
1,23115;23195,23331;26375,26535;28594,28719;28996,29272;29459,29592;30721,30838;
31077,31178;32474,32629;36840,36940;41280,41337;41441,41599;42239,43203

37012 460,42315 2,211;287,617;12054,12250;18148,18347;20367,20
457;22931,23115;23195,23331;26375,26535;28594,28719;28996,29272;29459,29592;3072
1,30838;31077,31178;32474,32629;36840,36940;41280,41337;41441,41599;42239,42536

37013 2773,404349 1,98;1918,1972;2722,2993;149737,149798;16856
9,168658;172853,172930;176491,176583;200763,200929;201744,201856;201964,202070;2
02621,202740;202888,202983;203638,203765;203852,203945;204159,204313;205841,2061
17;210465,210593;211321,211398;212013,212174;213601

37013 249823,404349 218689,218702;249725,255208;255737,255886;
259057,259272;259359,259508;265532,265765;268033,268182;269340,269573;271562,271
786;275930,276448;277252,277428;277696,277819;279348,279556;279915,280232;286703
,286869;288585,288741;291034,291151;297016,297078;297758,297999;298799,298928;30
0508,300707;303989,304484;305742,307213;340929,341090;341285,341455;342583,34274
9;346010,346169;346516,346842;347797,347881;348382,348623;349257,349463;351090,3

51209;351603,351710;352969,353187;354113,354320;356221,356225;356332,356563;357829,358055;359558,359680;359779,359880;360507,360608;360702,360875;360967,361122;361269,361466;362001,362129;363217,363390;365987,366142;366247,366453;366588,366707;367149,367318;369607,369766;370711,370905;371239,371367;372262,372405;373464,373652;376925,377045;377641,377804;379187,379349;380438,380592;382167,382241;387152,387287;398353,398564;403156,403285;404093,405091

37013 249823,404349 249693,255208;255737,255886;259057,259272;
259359,259508;265532,265765;268033,268182;269340,269573;271562,271786;275930,276448;277252,277428;277696,277819;279348,279556;279915,280232;286703,286869;288585,288741;291034,291151;297016,297078;297758,297999;298799,298928;300508,300707;303989,304484;305742,307213;340929,341090;341285,341455;342583,342749;346010,346169;346516,346842;347797,347881;348382,348623;349257,349463;351090,351209;351603,351710;352969,353187;354113,354316;355030,355036;356330,356563;357829,358055;359558,359680;359779,359880;360507,360608;360702,360875;360967,361122;361269,361466;362001,362129;363217,363390;365987,366142;366247,366453;366588,366707;367149,367318;369607,369766;370711,370905;371239,371367;372262,372405;373464,373652;376925,377045;377641,377804;379187,379349;380438,380592;382167,382241;383650,383667;387170,387287;398353,398564;403156,403285;404093,405672

37013 249823,404349 249693,255208;255737,255886;259057,259272;
259359,259508;265532,265765;268033,268182;269340,269573;271562,271786;275930,276448;277252,277428;277696,277819;279348,279556;279915,280232;286703,286869;288585,288741;291034,291151;297016,297078;297758,297999;298799,298928;300508,300707;303989,304484;305742,307213;340929,341090;341285,341455;342583,342749;346010,346169;346516,346842;347797,347881;348382,348623;349257,349463;351090,351209;351603,351710;352969,353187;354113,354320;356221,356225;356332,356563;357829,358055;359558,359680;359779,359880;360507,360608;360702,360875;360967,361122;361269,361466;362001,362129;363217,363390;365987,366142;366247,366453;366588,366707;367149,367318;369607,369766;370711,370905;371239,371367;372262,372405;373464,373652;376925,377045;377641,377804;379187,379349;380438,380592;382167,382241;387152,387287;398353,398564;403156,403285;404093,405672

37013 2721,202941 2722,2763;2768,2993;149737,149798;168569,168658;172853,172930;176491,176583;200763,200929;201744,201856;201964,202070;202621,202740;202888,202983;203638,203765;203852,203945;204159,204313;205841,206117;210465,210593;211321,211398;212013,212174;213601,213705;214342,214437;216175,216304;218763,218917;228125,228251;228800,228983;229386,229555;234068,234246;234946,235084;235769,235962;237008,237170;238219,238302;241163,241270;241465,241563;242748,242900;243201,243290

37013 2773,404349 2722,2993;149737,149798;168569,168658;172853,172930;176491,176583;200763,200929;201744,201856;201964,202070;202621,202740;202888,202983;203638,203765;203852,203945;204159,204313;205841,206117;210465,210593;211321,211398;212013,212174;213601,213705;214342,

37013 332954,346647 332955,333032;340929,341090;341285,341455;342583,342749;346010,346169;346516,346647

37013 387220,403377 387148,387287;398353,398564;399475,399585;403156,404772

37013 40854,404349 40855,40951;149737,149798;168569,168658;172853,172930;176491,176583;200763,200929;201744,201856;201964,202070;202621,202740;202888,202983;203638,203765;203852,203945;204159,204313;205841,206117;210465,210593;211321,211398;212013,212174;213601,213705;21434

37014 222,104420 1,326;53606,53720;58153,58272;67036,67122;692

36,69323;69882,69960;74542,74623;76716,76801;85531,85623;86995,87225;88992,89139
 ;93703,93853;94395,94503;94970,95110;96223,96405;96686,96820;98289,98468;99170,9
 9316;100209,100289;102038,102196;104261,104955
 37014 222,104420 39,326;53606,53720;58153,58272;67036,67122;69
 236,69323;69882,69960;74542,74623;76716,76801;85531,85623;86995,87225;88992,8913
 9;93703,93853;94395,94503;94970,95110;96223,96405;96686,96820;98289,98468;99170,
 99316;100209,100289;102038,102196;104261,104955
 37015 222,104420 1,326;53606,53720;58153,58272;67036,67122;692
 36,69323;69882,69960;74542,74623;76716,76801;85531,85623;86995,87225;88992,89139
 ;93703,93853;94395,94503;94970,95110;96223,96405;96686,96820;98289,98468;99170,9
 9316;100209,100289;102038,102196;104261,104955
 37015 222,104420 39,326;53606,53720;58153,58272;67036,67122;69
 236,69323;69882,69960;74542,74623;76716,76801;85531,85623;86995,87225;88992,8913
 9;93703,93853;94395,94503;94970,95110;96223,96405;96686,96820;98289,98468;99170,
 99316;100209,100289;102038,102196;104261,104955
 37016 0,1991 1,36;41,66;90,91;187,232;1625,1991
 37016 1970,97736 1943,1991;5550,5663;9193,9376;10280,10328;115
 77,11699;14596,14787;18451,18565;20070,20208;23409,23521;24859,24921;29622,29759
 ;30623,30713;33720,33853;40617,40810;52602,52695;54513,54582;82759,82868;85173,8
 5269;87453,87520;96856,96930;97722,98814
 37017 1,30440 1,17;19194,19305;19493,19665;20739,20881;22175,2
 2305;23271,23402;24476,24578;25206,25339;25418,25553;25867,25979;26377,26541;266
 33,26755;27031,27243;27755,28063;28337,28492;30026,30180;30334,30992
 37017 15203,30440 14989,15219;19194,19305;19493,19665;20739,20
 881;22175,22305;23271,23402;24476,24578;25206,25339;25418,25553;25867,25979;2637
 7,26541;26633,26755;27031,27243;27755,28063;28337,28492;30026,30180;30334,30992
 37018 57,300 12,093
 37018 57,300 57,299
 37019 57,300 12,093
 37019 57,300 57,299
 37020 80,14180 1,254;2796,2879;4487,4558;6346,6384;11991,12047
 ;13441,13536;14133,15942
 37020 80,13608 14,254;2796,2879;4487,4558;6346,6384;11991,1204
 7;13441,15938
 37020 80,13608 2,254;2796,2879;4487,4558;11991,12047;13441,159
 42
 37020 80,13608 2,254;2796,2879;4487,4558;6346,6384;13441,15942
 37021 80,14180 1,254;2796,2879;4487,4558;6346,6384;11991,12047
 ;13441,13536;14133,15942
 37021 80,13608 14,254;2796,2879;4487,4558;6346,6384;11991,1204
 7;13441,15938
 37021 80,13608 2,254;2796,2879;4487,4558;11991,12047;13441,159
 42
 37021 80,13608 2,254;2796,2879;4487,4558;6346,6384;13441,15942
 37022 243,24858 1,330;7504,7684;9454,9659;13609,13747;16291,16
 496;16647,16805;20341,20492;22598,22754;23277,23510;24442,25587
 37023 13987,128305 1,94;13977,14131;14563,14605;14926,15076;15
 529,15616;16963,17016;18023,18143;20735,20820;22080,22174;23311,23373;35122,3517
 6;48547,48709;49713,49758;51349,51472;52810,52873;55733,55793;59412,59496;62110,
 62244;65364,65444;67291,67403;71255,71375;74211,74333;75276,75377;76808,76900;77

550,77614;78623,78759;79681,80007;83387,83638;86431,86477;87534,87590;88722,88795;90783,90947;92282,93347;94287,94352;99327,99476;109506,109645;112437,112490;113610,113624;113780,113876;115226,115326;118065,118155;118843,118944;122406,122767;124301,124427;124613,124756;126963,127055;128171,129834

37023 13987,128305 1,94;13977,14131;14563,14605;14926,15076;15529,15616;16963,17016;18023,18143;20735,20820;22080,22174;23311,23373;35122,35176;48547,48709;49713,49758;51349,51472;52810,52873;55733,55793;59412,59496;62110,62244;65364,65444;67291,67403;71255,71375;74211,74333;75276,75377;76808,76900;77550,77614;78623,78759;79681,80007;83387,83638;86431,86477;87534,87590;88722,88795;90783,90947;92282,93347;94287,94352;99327,99476;109506,109645;112437,112505;113780,113876;115226,115326;118065,118155;118843,118944;122406,122767;124301,124427;124613,124756;126963,127055;128171,129834

37023 13987,128305 1,94;13977,14131;14563,14605;14926,15076;15529,15616;16963,17016;18023,18143;20735,20820;22080,22174;23311,23373;35122,35176;48547,48709;49713,49758;51349,51472;52810,52873;55733,55793;59412,59496;62110,62244;65364,65444;67291,67403;71255,71375;74211,74333;75276,75377;76808,76900;77550,77614;78623,78759;79681,80007;83387,83638;86431,86477;87534,87590;88722,88795;90783,90947;92282,93347;94287,94352;99327,99476;109506,109645;112437,112505;113780,113876;115226,115326;118065,118155;118843,118944;122406,122767;124301,124427;124613,124756;126963,127055;128171,129836

37023 13987,128305 9677,11061;13977,14131;14563,14605;14926,15076;15529,15616;16963,17016;18023,18143;20735,20820;22080,22174;23311,23373;35122,35176;48547,48709;49713,49758;51349,51472;52810,52873;55733,55793;59412,59496;62110,62244;65364,65444;67291,67403;71255,71375;74211,74333;75276,75377;76808,76900;77550,77614;78623,78759;79681,80007;83387,83638;86431,86477;87534,87590;88722,88795;90783,90947;92282,93347;94287,94352;99327,99476;109506,109645;112437,112490;113610,113624;113780,113876;115226,115326;118065,118155;118843,118944;122406,122767;124301,124427;124613,124756;126963,127055;128171,129834

37023 13987,128305 9677,11061;13977,14131;14563,14605;14926,15076;15529,15616;16963,17016;18023,18143;20735,20820;22080,22174;23311,23373;35122,35176;48547,48709;49713,49758;51349,51472;52810,52873;55733,55793;59412,59496;62110,62244;65364,65444;67291,67403;71255,71375;74211,74333;75276,75377;76808,76900;77550,77614;78623,78759;79681,80007;83387,83638;86431,86477;87534,87590;88722,88795;90783,90947;92282,93347;94287,94352;99327,99476;109506,109645;112437,112505;113780,113876;115226,115326;118065,118155;118843,118944;122406,122767;124301,124427;124613,124756;126963,127055;128171,129836

37024 144,30147 1,253;5804,5861;8315,8390;11775,11845;15992,16058;20797,20881;21014,21124;24013,24115;25728,25844;27010,27058;29455,29588;30018,32085

37025 84,648 12,091

37026 84,648 12,091

37027 51,9074 1,255;461,571;5265,5351;5673,5776;5918,6012;6745,6838;7081,7229;7678,7825;8481,8601;8725,8831;8924,9637;9650,9674

37027 51,9074 1,255;461,571;5265,5351;5673,5776;5918,6012;6745,6838;7081,7229;7678,7825;8481,8601;8725,8831;8924,9672

37028 97,8248 1,185;1948,2076;2350,2455;2547,2616;2881,2973;4590,4653;5217,5295;5759,5837;5919,6052;6324,6418;6542,6669;6836,6889;8183,8662

37029 320,36765 1,104;313,394;8770,8804;11588,11700;17202,17247;21514,21700;22241,22334;28270,28396;32214,32314;32671,32771;36741,37197

37029 11643,32301 238,394;8770,8804;11588,11700;17202,17247;21

514,21700;22241,22334;28270,28396;28741,28747;32214,32314;32671,32771;36741,36958

37029 320,36765 247,394;8770,8804;11588,11700;17202,17247;21514,21700;22241,22334;28270,28396;32214,32314;32671,32771;36741,37197

37030 2895,10610 1,109;2884,3000;6131,6284;6943,7065;7301,7431;10524,10902

37030 2895,10610 1,303;2884,3000;6131,6284;6943,7065;7301,7431;10524,10902

37030 2895,10610 1,329;2884,3000;6131,6284;6943,7065;7301,7431;10524,10902

37031 1594,7945 10,65;1566,1639;1985,2476;3084,3392;3513,3576;3837,3916;4420,4514;5208,5287;5381,5423;5751,5813;6924,7038;7511,8270

37031 1594,7945 1323,1486;1566,1639;1985,2476;3084,3392;3513,3576;3837,3916;4420,4514;5208,5287;5381,5423;5751,5813;6924,7038;7511,7953;8144,8275

37031 1594,7945 1,65;1566,1639;1985,2476;3084,3392;3513,3576;3837,3916;4420,4514;5208,5287;5381,5423;5751,5813;6924,7038;7511,7953;8144,8275

37031 1594,7945 26,65;1566,1639;1985,2089;2144,2476;3084,3392;3513,3576;3837,3916;4420,4514;5208,5287;5381,5423;5751,5813;6924,7038;7511,7957

37031 1594,7945 627,696;1566,1639;1985,2476;3084,3392;3513,3576;3837,3916;4420,4514;5208,5287;5381,5423;5751,5813;6924,7038;7511,7953;8144,8275

37031 1594,7945 634,696;1566,1639;1985,2476;3084,3392;3513,3576;3837,3916;4420,4514;5208,5287;5381,5423;5751,5813;6924,7038;7511,7957

37032 496,53510 1,226;257,535;3372,3485;3684,3757;8344,8424;9987,10063;11109,11218;18014,18123;20136,20235;29541,29676;30499,30581;31648,31798;33408,33474;34490,34565;36421,36503;37173,37312;37893,37978;38095,38233;44402,44564;44675,44821;45921,46110;46228,46323;47517,47605;47807,47930;48809,48898;49073,49182;50203,50280;50432,50500;51046,51182;51468,51654;51737,51847;52170,52331;52980,53174;53450,54394

37032 496,53510 252,535;3372,3485;3684,3757;8344,8424;9987,10063;11109,11218;18014,18123;20136,20235;29541,29676;30499,30581;31648,31798;33408,33474;34490,34565;36421,36503;37173,37312;37893,37978;38095,38233;44402,44564;44675,44821;45921,46110;46228,46323;47517,47605;47807,47930;48809,48898;49073,49182;50203,50280;50432,50500;51046,51182;51468,51654;51737,51847;52170,52331;52980,53174;53450,54394

37033 813,4404 1,73;808,1017;1339,1544;1869,2021;2109,2664;2876,3078;3307,3370;4309,4644

37033 813,4404 1,73;808,1017;1339,1544;1869,2021;2109,2664;2876,3078;3307,3505;3653,3885;4218,4644

37033 813,4404 21,73;808,1017;1339,1544;1869,2021;2109,2664;2876,3078;3307,3391;4318,4403

37034 519,39296 1,579;4232,4333;5383,5485;6495,6636;8470,8558;8932,9008;15021,15166;17532,17681;21332,21494;22550,22714;26829,26936;27753,27898;31670,31755;33996,34105;36884,36977;37683,37873;39171,39464

37034 357,39296 1,579;4232,4333;5383,5485;6495,6636;8470,8558;8932,9008;15021,15166;17532,17681;21332,21494;22550,22714;26829,26942;27762,27898;31670,31755;33996,34105;36884,36977;37683,37873;39171,39464

37035 7021,16460 1,105;781,837;7013,7175;8163,8356;10611,10912;12949,13044;13235,13431;13761,13845;14220,14322;14853,14892;15091,15200;16326,1

7550

37035 17115, 17420 54, 105; 781, 837; 7013, 7175; 8163, 8356; 10611, 109
12; 12949, 13044; 13235, 13431; 13761, 13845; 14220, 14322; 14853, 14892; 15091, 15200; 16326
, 17283; 17286, 17550

37036 59, 30246 1, 165; 13759, 13876; 14756, 14869; 15653, 15750; 20827
, 21018; 22727, 22845; 24451, 24644; 25380, 25544; 26565, 26721; 26864, 26994; 27642, 27725; 2
7852, 27945; 29123, 29245; 30070, 30250; 30392, 31287

37036 59, 30246 59, 165; 13759, 13876; 14756, 14869; 15653, 15750; 2082
7, 21018; 22727, 22845; 24451, 24644; 25380, 25544; 26565, 26721; 26864, 26994; 27642, 27725;
27852, 27945; 29123, 29245; 30070, 30351

37037 59, 30246 1, 165; 13759, 13876; 14756, 14869; 15653, 15750; 20827
, 21018; 22727, 22845; 24451, 24644; 25380, 25544; 26565, 26721; 26864, 26994; 27642, 27725; 2
7852, 27945; 29123, 29245; 30070, 30250; 30392, 31287

37037 59, 30246 59, 165; 13759, 13876; 14756, 14869; 15653, 15750; 2082
7, 21018; 22727, 22845; 24451, 24644; 25380, 25544; 26565, 26721; 26864, 26994; 27642, 27725;
27852, 27945; 29123, 29245; 30070, 30351

37038 72, 73543 11, 177; 39524, 39697; 40633, 40756; 56795, 56925; 5786
1, 57935; 59143, 59301; 60133, 60261; 63724, 63823; 65658, 65810; 70493, 70578; 71593, 71667;
72014, 72169; 73442, 73756

37038 72, 73543 1, 177; 39524, 39697; 40633, 40756; 50801, 50913; 51709
, 51905; 52400, 52608; 53707, 53874; 56795, 56925; 57861, 57935; 59143, 59301; 60133, 60261; 6
3724, 63823; 65658, 65810; 67351, 67386; 70493, 70578; 71593, 71667; 72014, 72169; 73442, 749
00

37038 12302, 34604 12303, 12421; 34457, 34484; 34486, 34551; 34554, 34
604

37038 72, 73543 16, 177; 39524, 39697; 40633, 40756; 50801, 50913; 5170
9, 51905; 52400, 52608; 53707, 53874; 56795, 56925; 57861, 57935; 59143, 59301; 60133, 60261;
63724, 63823; 65658, 65810; 70493, 70578; 71593, 71667; 72014, 72169; 73442, 74899

37038 72, 73543 70, 177; 39524, 39697; 40633, 40756; 50801, 50913; 5170
9, 51905; 52400, 52608; 56795, 56925; 57861, 57935; 59143, 59301; 60133, 60261; 63724, 63823;
65658, 65810; 67351, 67386; 70493, 70578; 71593, 71667; 72014, 72169; 73442, 74900

37039 1705, 6897 1, 105; 234, 442; 1498, 1777; 1881, 1962; 2522, 2694; 29
61, 3072; 4172, 4317; 4580, 4738; 5017, 5178; 5484, 5648; 6272, 6406; 6808, 10867

37039 1705, 6897 744, 1030; 1498, 1777; 1881, 1962; 2522, 2694; 2961, 30
72; 4172, 4317; 4580, 4738; 5017, 5178; 5484, 5648; 6272, 6406; 6808, 10867

37040 60, 43921 1, 266; 4519, 4598; 5395, 5504; 6369, 6561; 10331, 10397
; 15008, 15109; 16677, 16867; 20972, 21053; 21728, 21817; 23903, 24084; 25169, 25304; 31941, 3
2015; 32582, 32703; 33792, 33899; 33976, 34123; 42537, 42699; 43709, 44042

37040 6335, 23976 6169, 6561; 10331, 10397; 15008, 15109; 16677, 16867
; 23903, 24084; 25169, 25304; 31941, 32015; 32582, 32703; 33792, 34123; 42389, 42430; 42537, 4
2699; 43709, 44042

37041 60, 43921 1, 266; 4519, 4598; 5395, 5504; 6369, 6561; 10331, 10397
; 15008, 15109; 16677, 16867; 20972, 21053; 21728, 21817; 23903, 24084; 25169, 25304; 31941, 3
2015; 32582, 32703; 33792, 33899; 33976, 34123; 42537, 42699; 43709, 44042

37041 6335, 23976 6169, 6561; 10331, 10397; 15008, 15109; 16677, 16867
; 23903, 24084; 25169, 25304; 31941, 32015; 32582, 32703; 33792, 34123; 42389, 42430; 42537, 4
2699; 43709, 44042

37042 139, 22520 1, 153; 6704, 6881; 8684, 8787; 13616, 13751; 14733, 14
833; 15444, 15592; 18518, 18574; 21647, 21732; 22344, 22818

37043 208, 103770 1, 254; 41853, 41924; 55047, 55114; 67209, 67291; 677

24,67816;74859,74970;101581,101649;103675,104071
 37044 93,9998 1,175;4807,4907;9825,10627
 37045 64,6797 1,136;341,450;6260,6382;6641,8290
 37046 1200,9939 1,165;1040,1205;1763,1970;2178,2355;3555,3680;
 4388,4587;5105,5258;5806,5921;6327,6405;6931,7059;7744,7818;9143,10317
 37046 1763,9939 1,165;1040,1205;1763,1970;2178,2355;3555,3680;
 4388,4587;5105,5258;5806,5921;6327,6405;6931,7059;7744,7818;9143,10317
 37046 3589,9921 2213,2355;3555,3680;4388,4512;4669,4750;5115,5
 258;5806,5921;6327,6405;6931,7059;7085,7101;7744,7746;7749,7818;9143,10317
 37046 1200,9939 5,165;1127,1205;1763,1970;2178,2355;3555,3680;
 4388,4587;5105,5258;5806,5921;6327,6405;6931,7059;7744,7818;9143,10317
 37047 488,14562 1,150;474,530;810,885;973,1063;1344,1487;1879,
 1998;2086,2181;2367,2519;11577,11758;11950,11995;12112,12249;12491,12655;14532,1
 4941
 37048 14455,15354 1,106;14419,14603;14683,14793;14932,15056;15
 193,16550
 37048 14455,15354 69,106;14419,14603;14683,14793;14932,15056;1
 5193,16550
 37049 301,26954 1,398;11739,11818;14492,14608;19645,19691;2174
 8,21825;22067,22122;22196,22280;23122,23226;24385,24453;25480,25530;26852,27607
 37050 31,8786 1,34;128,220;1624,1711;2000,2065;3761,3910;3993,
 4120;6089,6199;6317,6406;6725,6798;8517,8609;8705,9193
 37050 31,8786 15,34;128,220;1624,1711;2000,2065;3761,3910;3993
 ,4120;6089,6199;6317,6406;6725,6798;8517,8609;8705,9192
 37051 4852,15615 182,241;4842,4918;5115,5198;6476,6548;10996,1
 1105;11260,11339;15552,16211
 37051 4852,15615 1,93;4842,4918;5115,5198;6476,6548;10996,1110
 5;11260,11339;15552,16211
 37051 4852,15615 459,595;3169,3425;4842,4918;5115,5198;6476,65
 48;10996,11105;11260,11339;15552,16211
 37051 4852,15615 459,595;4842,4918;5115,5198;6476,6548;10996,1
 1105;11260,11339;15552,16211
 37051 4852,11481 4817,4918;5115,5198;6476,6548;10996,11105;112
 60,12585
 37052 554,61455 1,193;448,873;60023,60074;61224,62743
 37052 554,61455 186,873;60023,60074;61224,62743
 37052 59162,61455 58912,59283;60023,60074;61224,62743
 37053 4032,11333 1,470;4001,4070;6698,6775;7305,7498;11218,114
 81
 37053 454,11333 1,470;4001,4070;6698,6775;7305,7498;11218,1148
 1
 37053 4032,11333 532,593;4001,4070;6698,6775;7305,7498;11218,1
 1481
 37054 680,76418 1,1052;30297,30408;40272,40345;41002,41124;440
 84,44182;50002,50097;76341,77542
 37054 680,76418 525,1052;30297,30408;40272,40345;41002,41124;4
 4084,44182;50002,50097;76341,77538
 37055 236,17582 1,381;15749,15934;17551,19748
 37056 22,10446 1,85;1347,1432;1619,1747;3493,3590;3994,4104;46
 43,4824;5423,5549;8380,8555;8924,9047;9403,9595;9700,9863;10229,10383;10394,1077

3

37056	22,10446	1,85;1347,1432;1619,1747;3493,3590;3994,4104;4643,4824;5423,5549;8380,8555;8924,9047;9403,9595;9700,9863;10229,10773
37057	339,39024	14,500;38215,38310;38940,39026;46638,46762;49006,49746
37057	339,49112	14,500;46638,46762;49006,49746
37057	339,39024	1,500;38215,38310;38940,39026;46638,46762;49006,49746
37057	339,49112	1,500;38215,38310;46638,46762;49006,49746
37057	339,49112	1,500;46638,46762;49006,49746
37058	156,38248	12,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;14957,15139;15551,15595;15723,15767;18265,18306;31236,31274;33015,33050;33563,33626;38197,38248
37058	156,38248	12,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;14957,15139;15551,15595;15723,15767;18265,18306;31236,31274;33015,33050;33563,33626;38197,38289;41463,43447
37058	156,38248	1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;14957,15139;15551,15595;15723,15767;18265,18306;31236,31274;33015,33050;33563,33626;38197,38289;41463,43457
37058	156,41535	1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;14957,15139;15551,15595;15723,15767;18265,18306;31236,31274;33015,33050;33563,33626;41463,43457
37058	156,38248	1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;14957,15139;15551,15595;15723,15767;31236,31274;33015,33050;33563,33626;38197,38289;41463,43457
37058	156,41535	1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;14957,15139;15551,15595;15723,15767;31236,31274;33015,33050;33563,33626;41463,43457
37058	156,38248	1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;14957,15139;15723,15767;18265,18306;31236,31274;33015,33050;33563,33626;38197,38289;41463,43457
37058	156,41535	1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;14957,15139;15723,15767;18265,18306;31236,31274;33015,33050;33563,33626;41463,43457
37058	156,38248	1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;14957,15139;15723,15767;31236,31274;33015,33050;33563,33626;38197,38289;41463,43457
37058	156,41535	1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;14957,15139;15723,15767;18265,18306;31236,31274;33015,33050;33563,33626;41463,43457
37058	156,38248	1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;14957,15139;18265,18306;31236,31274;33015,33050;33563,33626;38197,38289;41463,43457
37058	156,41535	1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;14957,15139;18265,18306;31236,31274;33015,33050;33563,33626;41463,43457
37058	156,41539	1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;14957,15139;15723,15767;18265,18306;31236,31274;33015,33050;33600,33626;41463,43457
37058	156,38248	1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;14957,15139;15723,15767;31236,31274;33015,33050;33563,33626;38197,38289;41463,43457
37058	156,41535	1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;14957,15139;15723,15767;31236,31274;33015,33050;33563,33626;41463,43457
37058	156,38248	1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;14957,15139;18265,18306;31236,31274;33015,33050;33563,33626;38197,38289;41463,43457
37058	156,41535	1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;14957,15139;18265,18306;31236,31274;33015,33050;33563,33626;41463,43457
37058	156,41539	1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;14957,15139;18265,18306;31236,31274;33015,33050;41463,43457
37058	156,38248	1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;

14957,15139;31236,31274;33015,33050;33563,33626;38197,38289;41463,43457
 37058 156,41535 1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;
 14957,15139;31236,31274;33015,33050;33563,33626;41463,43457
 37059 628,11298 1,668;7016,7071;10376,10482;11124,12977
 37059 628,11298 545,668;7016,7071;10376,10482;11124,12974
 37060 165,40264 1,256;1271,1455;2465,2556;4709,4807;12906,1300
 5;15246,15306;31707,31815;33213,33290;34818,34895;40111,40784
 37061 53451,80024 1,333;53443,53508;57187,57374;72894,72971;73
 889,74060;75806,75930;78423,78557;79880,81752
 37061 53451,80024 6,333;53443,53508;57187,57374;72894,72971;73
 889,74060;75806,75930;78423,78557;79880,81752
 37062 160,18571 160,630;17869,18722;18885,19621
 37062 160,18571 1,630;17869,20800
 37063 160,18571 160,630;17869,18722;18885,19621
 37063 160,18571 1,630;17869,20800
 37064 30,16571 1,156;4211,4336;5725,5873;8287,8457;9476,9887;1
 0416,10520;14802,15031;16176,16351;16561,17876
 37064 30,16571 1,156;4211,4336;5725,5873;8287,8457;9476,9887;1
 0416,10520;14802,15031;16176,16351;16561,17877
 37064 4240,16571 3390,3665;4211,4336;5725,5873;8287,8457;9476,
 9887;10416,10520;14802,15031;16176,16351;16561,17877
 37065 30,16571 1,156;4211,4336;5725,5873;8287,8457;9476,9887;1
 0416,10520;14802,15031;16176,16351;16561,17876
 37065 30,16571 1,156;4211,4336;5725,5873;8287,8457;9476,9887;1
 0416,10520;14802,15031;16176,16351;16561,17877
 37065 4240,16571 3390,3665;4211,4336;5725,5873;8287,8457;9476,
 9887;10416,10520;14802,15031;16176,16351;16561,17877
 37066 1686,4995 1,234;1687,1950;3508,3761;4316,4394;4475,4573;
 4804,4998;6104,7444
 37066 1686,1912 1687,1776;1898,1912
 37066 1686,4995 1,89;190,234;1687,1950;3508,3761;4316,4394;447
 5,4573;4804,4998;6104,7444
 37066 1686,4995 1,94;195,234;1687,1950;3508,3761;4316,4394;447
 5,4573;4804,4998;6104,7444
 37067 11,8813 1,217;1227,1533;8526,9050
 37067 20,8813 1,217;1227,1533;8526,9050
 37067 26,8548 24,217;1227,1533;7072,7156;8526,8992
 37068 19,34245 10,128;2037,2157;4104,4227;6438,6581;6664,6775;
 9055,9086;10763,10887;10976,11033;15523,15654;17120,17248;18709,18781;20333,2039
 7;21772,21867;22717,22820;22952,23029;23815,23952;27741,27778;32920,33079;34068,
 34294
 37068 1,34276 1,128;2037,2157;4104,4227;6438,6581;6664,6775;90
 55,9086;15523,15654;17120,17248;18709,18781;20333,20397;21772,21867;22717,22820;
 22952,23029;23815,23952;27741,27778;32920,33079;34068,34101;34106,34797
 37068 19,34245 8,128;2037,2157;4104,4227;6438,6581;6664,6775;9
 055,9086;10763,10887;10976,11033;15523,15654;17120,17248;18709,18781;20333,20397
 ;21772,21867;22717,22820;22952,23029;23815,23952;27741,27778;32920,33079;34068,3
 6065
 37069 19,34245 10,128;2037,2157;4104,4227;6438,6581;6664,6775;
 9055,9086;10763,10887;10976,11033;15523,15654;17120,17248;18709,18781;20333,2039

7;21772,21867;22717,22820;22952,23029;23815,23952;27741,27778;32920,33079;34068,
 34294
 37069 1,34276 1,128;2037,2157;4104,4227;6438,6581;6664,6775;90
 55,9086;15523,15654;17120,17248;18709,18781;20333,20397;21772,21867;22717,22820;
 22952,23029;23815,23952;27741,27778;32920,33079;34068,34101;34106,34797
 37069 19,34245 8,128;2037,2157;4104,4227;6438,6581;6664,6775;9
 055,9086;10763,10887;10976,11033;15523,15654;17120,17248;18709,18781;20333,20397
 ;21772,21867;22717,22820;22952,23029;23815,23952;27741,27778;32920,33079;34068,3
 6065
 37070 21557,48631 1,129;21532,21622;26146,26255;29487,29546;30
 358,30468;45231,45362;47852,47993;48526,49308
 37070 21557,79083 2,129;21532,21622;26146,26255;29487,29546;30
 358,30468;45231,45362;47852,47993;48526,48596;72780,72986;79001,80423
 37070 21557,79083 21558,21622;26146,26255;29487,29546;30358,30
 468;45231,45362;47852,47993;48526,48596;72780,72986;79001,79083
 37071 25,33044 1,142;9785,9966;23741,23864;24341,24453;24730,2
 4834;26716,26866;26956,27121;27868,28010;32904,33719
 37072 281,52467 1,388;13011,13068;15448,15588;18405,18423;5234
 6,53048
 37072 281,52467 1,388;13011,13068;15448,15588;18405,18527;2126
 1,21360;22024,22157;24685,24929;34813,34889;36435,36586;37086,37192;37593,37726;
 39224,39405;40731,40820;44129,44281;45192,45317;47576,47683;49790,49909;51896,52
 057;52264,53048
 37072 281,52467 1,388;13011,13068;15448,15601;18484,18489;5234
 6,52467
 37073 20741,26951 1,112;19414,19504;20742,21030;21781,21974;22
 383,22514;26751,27222
 37073 20891,26951 20762,21030;21781,21974;22383,22514;26751,27
 222
 37074 20741,26951 1,112;19414,19504;20742,21030;21781,21974;22
 383,22514;26751,27222
 37074 20891,26951 20762,21030;21781,21974;22383,22514;26751,27
 222
 37075 164,9099 1,166;3096,3247;5035,5146;6955,7107;7627,7765;8
 093,8208;8213,8218;8915,9052;9057,9098
 37075 164,8926 1,166;3096,3247;5035,5146;6955,7107;7627,7765;8
 093,8218;8915,9219
 37075 164,9099 1,166;3096,3247;5035,5146;6955,7107;7627,7765;8
 093,8218;9061,9219
 37075 3096,3597 3096,3247;3539,3596
 37075 164,8926 48,166;3096,3247;5035,5146;6955,7107;7627,7765;
 8093,8218;8915,8925
 37076 5327,10538 1,434;5322,5529;6155,6288;6388,6513;6604,6660
 ;6758,6872;7542,7636;7735,7797;8049,8172;8353,8473;8582,8679;8764,8869;8951,8993
 ;9149,9239;10337,10414;10501,11763
 37076 5327,10538 3,434;5322,5529;6155,6288;6388,6513;6604,6660
 ;6758,6872;7542,7636;7735,7797;8049,8172;8353,8473;8582,8679;8764,8869;8951,8993
 ;9149,9239;10337,10414;10501,11763
 37076 5327,10538 486,875;5322,5529;6155,6288;6388,6513;6604,66
 60;6758,6872;7542,7636;7735,7797;8049,8172;8353,8473;8582,8679;8764,8869;8951,89

93;9149,9239;10337,10414;10501,11763

37076 5327,10538 5328,5376;6028,6036;6155,6288;6388,6513;6604,
6660;6758,6872;7542,7636;7735,7797;8049,8172;8353,8473;8582,8679;8764,8869;8951,
8993;9149,9239;10337,10414;10501,11763

37076 5327,10538 5328,5529;6155,6288;6388,6513;6604,6660;6758,
6872;7542,7636;7735,7797;8049,8172;8353,8473;8582,8679;8764,8869;8951,8993;9149,
9239;10337,10414;10501,11763

37077 139,5898 1,249;2668,2772;5733,6053

37078 380,1863 1,56;265,445;533,618;945,1063;1690,3432

37079 133,11098 1,301;2641,2889;10862,11728

37079 133,11098 33,301;2641,2889;10862,11730

37080 11397,27993 1,214;11373,11491;14498,14579;15692,15865;16
408,16498;17552,17654;18176,18356;19341,19439;24681,24783;26265,26393;26966,2708
4;27720,30639

37080 11397,27993 1,214;11373,11491;14498,14579;15692,15865;16
408,16498;17552,17654;18176,18356;24681,24783;26265,26393;26966,27084;27720,3063
9

37080 11397,27993 288,403;11373,11491;14498,14579;15692,15865;
16408,16498;17552,17654;18176,18356;19341,19439;24681,24783;26265,26393;26966,27
084;27720,30639

37081 140,37045 1,203;19150,19230;20339,20542;21004,21090;2212
8,22258;25450,25582;27236,27359;32463,32549;33639,33746;36590,36843;36848,37922

37081 140,36930 1,203;19150,19230;20339,20542;21004,21090;2212
8,22258;25450,25582;27236,27359;32463,32549;33639,33746;36590,37929

37082 140,37045 1,203;19150,19230;20339,20542;21004,21090;2212
8,22258;25450,25582;27236,27359;32463,32549;33639,33746;36590,36843;36848,37922

37082 140,36930 1,203;19150,19230;20339,20542;21004,21090;2212
8,22258;25450,25582;27236,27359;32463,32549;33639,33746;36590,37929

37083 2,16451 1,178;3651,3752;6751,6892;7415,7502;11944,12163;
12315,12575;13818,13953;16156,16294;16426,17655

37083 167,16451 5,178;3651,3752;6751,6892;7415,7502;11944,1216
3;12315,12575;13818,13953;16156,16294;16426,17655

37084 6687,29650 1,108;6685,6858;7264,7337;8138,8196;9245,9386
;9984,10065;10879,11071;17111,17300;20674,20787;21410,21566;23810,24025;24666,24
785;25663,25789;27686,27765;29597,31931

37084 6732,17298 1,55;6685,6858;7264,7337;8138,8196;9245,9386;
9984,10029;10034,10069;10879,11071;17111,17300;20674,20787;21410,21566;23810,240
25;24666,24785;25663,25789;27686,27765;29597,31931

37085 6687,29650 1,108;6685,6858;7264,7337;8138,8196;9245,9386
;9984,10065;10879,11071;17111,17300;20674,20787;21410,21566;23810,24025;24666,24
785;25663,25789;27686,27765;29597,31931

37085 6732,17298 1,55;6685,6858;7264,7337;8138,8196;9245,9386;
9984,10029;10034,10069;10879,11071;17111,17300;20674,20787;21410,21566;23810,240
25;24666,24785;25663,25789;27686,27765;29597,31931

37086 429,4440 1,129;321,482;1727,1902;2007,2094;2212,2358;247
3,2658;3750,3890;4278,4512

37086 429,4440 1,129;381,482;1727,1902;2007,2094;2212,2358;247
3,2658;3750,3890;4278,4512

37087 73,12352 10,96;5046,5150;5629,5688;11665,11730;12289,124
78

37087 73,12352 1,96;5046,5150;5629,5688;11665,11730;12289,1248
8

37088 131,54243 1,253;914,1020;25924,26050;30707,30805;37886,3
8025;39223,39301;41142,41216;43962,44068;45500,45648;54235,55109

37088 59,54243 1,253;914,1020;25924,26050;30707,30805;37886,38
025;39223,39301;41142,41216;43962,44068;45500,45648;54235,55109

37088 54918,55419 46425,50080;51802,56780

37089 293,9016 1,383;5227,5305;7604,7722;8951,10287

37089 293,9016 54,383;5227,5305;7604,7722;8951,10287

37090 78,18851 1,134;7992,8026;8918,9049;10861,11065;11643,117
86;11898,11962;14141,14296;14629,14725;18845,18881;19530,19668

37090 78,19533 1,134;7992,8026;8918,9049;10861,11065;11643,117
86;11898,11962;14141,14296;14629,14725;19530,19663

37090 78,19533 1,134;7992,8026;8918,9049;10861,11065;11643,117
86;11898,11962;14141,14296;14629,14725;19530,19668

37090 78,18851 1,134;7992,8026;8918,9049;10861,11065;11643,118
19;11898,11962;14141,14296;14629,14725;18845,18881;19529,19663

37090 78,19533 1,134;7992,8026;8918,9049;10861,11065;11643,118
19;11898,11962;14141,14296;14629,14725;19530,19663

37091 142,51890 1,213;1944,2112;3804,3922;12304,12382;13813,13
989;14224,14379;17942,18036;18500,18656;19974,20136;29097,29215;30182,30400;3562
0,35742;41654,41775;43452,43590;44836,44955;45879,46055;46500,46633;47375,47466;
48274,48388;50815,50941;51738,51995

37092 117301,125118 117183,117440;122133,122305;122911,123003;
123542,123672;124800,126278

37092 3,127540 1,82;55400,55464;127067,127539

37093 81,4041 1,163;2579,2824;3316,3597;3887,4052;4783,5175

37093 81,4041 18,163;2579,2824;3316,3597;3887,4052;4783,5177

37094 177,21255 1,217;6835,6952;9185,9264;10771,10838;12422,12
466;14004,14107;16437,16503;19357,19435;21113,22002

37095 31,576 1,70;157,204;454,592;773,895

37096 1218,1637 1,137;1210,1386;1488,6679

37097 90,5661 1,303;5050,5948

37098 79,6138 1,310;879,1029;4186,4279;5385,5483;5737,5859;598
8,6373

37099 84,22461 1,174;14717,14801;16117,16192;17037,17135;18695
,18818;21786,21889;22371,22510;23705,23785;24343,24480;27491,27572;29725,29850;3
0608,30730;31584,31612;31994,32127;35434,35505;40469,40499;41499,41609;42795,446
07;44656,46171

37099 84,22461 1,174;14717,14801;16117,16192;17037,17135;18695
,18818;21786,21889;22371,22510;23705,23785;24343,24480;27491,27572;29725,29850;3
0608,30730;31584,31612;31994,32127;35434,35506;40470,40499;41499,41609;42795,446
07;44656,46171

37099 84,42906 1,174;14717,14801;16117,16192;17037,17135;18695
,18818;21786,21889;23705,23785;24343,24480;27491,27572;29725,29850;30608,30730;3
1584,31612;31994,32127;35434,35591;40330,40499;41499,41609;42795,44607;44656,461
71

37100 14664,27167 1,165;14624,14842;18035,18118;20168,20336;20
827,20969;22760,22963;23413,23567;23727,23812;24594,24696;25372,25526;25687,2578
6;25862,26019;26421,26503;27010,28831

37100 14664,27167 1280,1324;14624,14842;18035,18118;22760,2285
8;23440,23567;23727,23812;24594,24696;25372,25526;25687,25786;25862,26019;26421,
26503;27010,28829

37100 18093,25405 1600,1781;14624,14842;18035,18118;22760,2285
8;23440,23567;23727,23812;25372,25526;25687,25786;25862,26019;26421,26503;27010,
28831

37100 14664,27167 1600,1781;14624,14842;18035,18118;22760,2288
9;23462,23567;23727,23812;24594,24696;25372,25526;25687,25786;25862,26019;26421,
26503;27010,28836

37101 14664,27167 1,165;14624,14842;18035,18118;20168,20336;20
827,20969;22760,22963;23413,23567;23727,23812;24594,24696;25372,25526;25687,2578
6;25862,26019;26421,26503;27010,28831

37101 14664,27167 1280,1324;14624,14842;18035,18118;22760,2285
8;23440,23567;23727,23812;24594,24696;25372,25526;25687,25786;25862,26019;26421,
26503;27010,28829

37101 18093,25405 1600,1781;14624,14842;18035,18118;22760,2285
8;23440,23567;23727,23812;25372,25526;25687,25786;25862,26019;26421,26503;27010,
28831

37101 14664,27167 1600,1781;14624,14842;18035,18118;22760,2288
9;23462,23567;23727,23812;24594,24696;25372,25526;25687,25786;25862,26019;26421,
26503;27010,28836

37102 33050,110308 1,49;33044,33167;33244,33333;35397,35474;35
677,35778;36982,37163;40829,40925;41016,41144;43128,43232;46443,46534;47996,4811
3;52308,52430;54229,54354;61478,61644;62401,62548;63706,63859;65454,65610;68061,
68157;69523,69599;69708,69816;71023,71142;76431,76630;87359,87446;97325,97468;98
400,98490;100293,100423;105065,105137;105692,105786;106607,106845;107364,107511;
110144,110870

37102 33050,110308 1,49;33045,33167;33244,33333;35397,35474;35
677,35778;36982,37163;40829,40925;41016,41144;43128,43232;46443,46534;47996,4811
3;52308,52430;54229,54354;61478,61644;62401,62548;63706,63859;65454,65610;68061,
68157;69523,69599;69708,69816;71023,71142;76431,76630;87359,87446;97325,97468;98
400,98490;100293,100423;105065,105137;105692,105786;106607,106845;107364,107511;
110144,110870

37102 33050,110308 4,49;33045,33167;33244,33333;35397,35474;35
677,35778;36982,37163;40829,40925;41016,41144;43128,43232;46443,46534;47996,4811
3;52308,52430;54229,54354;61478,61644;62401,62548;63706,63859;65454,65610;68061,
68157;69523,69599;69708,69816;71023,71142;76431,76630;87359,87446;97325,97468;98
400,98490;100293,100423;105065,105137;105692,105786;106607,106845;107364,107511;
110144,110870

37103 131,3189 1,289;716,908;1457,1719;2286,2468;2643,2865;296
2,3731

37104 38838,71327 1,25;38835,39026;57259,57307;64297,64425;651
85,65334;65894,66018;66363,66452;67070,67168;68366,68482;68584,68702;69623,69804
;69904,70053;70425,70695;70769,70914;71005,71087;71183,71700

37104 38838,71327 38835,39026;57259,57307;64297,64425;65185,65
334;65894,66018;66363,66452;67070,67168;68366,68482;68584,68702;69623,69804;6990
4,70053;70425,70695;70769,70914;71005,71087;71183,71700

37105 278,2361 1,31;259,382;546,687;897,1070;1654,1710;2203,27
59

37105 278,2361 42,382;546,687;897,1070;1654,1710;2203,2759

37105 278,2361 5,31;259,382;546,687;897,1070;1654,1710;2203,38
60

37106 16294,30154 1,176;16205,16297;16663,16892;17047,17224;22
852,22999;24302,24393;24786,24881;25505,25616;26035,26132;26708,26819;26908,2701
8;27682,27881;28226,28393;28826,28951;29055,29231;29325,29478;29606,29659;30105,
31456

37106 16294,30561 1,176;16205,16297;16663,16892;17047,17224;22
852,22999;24302,24393;24786,24881;25505,25616;26035,26132;26708,26819;26908,2701
8;27682,27881;28226,28393;28826,28951;29055,29231;29325,29478;29606,29659;30548,
31456

37106 16294,35001 1,176;16205,16297;16663,16892;17047,17224;22
852,22999;24302,24393;24786,24881;25505,25616;26035,26132;26708,26819;26908,2701
8;27682,27881;28226,28393;28826,28951;29055,29231;29325,29478;29606,29659;33035,
33397;34239,34367;34868,38108

37106 16294,35320 1,176;16205,16297;16663,16892;17047,17224;22
852,22999;24302,24393;24786,24881;25505,25616;26035,26132;26708,26819;26908,2701
8;27682,27881;28226,28393;28826,28951;29055,29231;29325,29478;29606,29663;35086,
35320

37107 323,9008 1,40;261,421;5205,5256;6430,6480;6692,6793;7340
,7513;7601,7727;8612,8801;8879,9302

37107 323,9008 9,40;261,421;5205,5256;6430,6480;6692,6793;7340
,7513;7601,7727;8612,8801;8879,9320

37108 7806,29897 1,20;160,236;7704,7851;19233,19321;20615,2082
5;22300,22419;23390,23446;24497,24523;24651,24776;25296,25384;26486,26651;29748,
31432

37108 7806,29897 5175,5360;5706,5797;7704,7851;19233,19321;206
15,20825;22300,22419;23390,23446;24497,24523;24651,24776;25296,25384;26486,26651
;29748,31432

37108 7806,29897 5175,5360;5706,5797;7704,7851;19233,19321;206
15,20825;22300,22419;23390,23446;24497,24523;25296,25384;26486,26651;29748,31432

37108 7809,29897 5175,5360;5706,5797;7704,7851;19233,19321;206
15,20825;22300,22419;23390,23446;24497,24527;25163,25242;25247,25273;25278,25384
;26486,26651;29748,30997

37108 7806,29897 5175,5360;5706,5797;7704,7851;19233,19321;206
15,20825;24497,24523;24651,24776;25296,25384;26486,26651;29748,30997

37108 7806,29897 5513,5797;7704,7851;19233,19321;20615,20825;2
2300,22419;23390,23446;24497,24523;25296,25384;26486,26651;29748,31432

37109 3331,29140 1,281;3253,3523;9473,9576;11931,12038;14310,1
4464;18493,18583;19831,19930;25234,25446;28925,30198

37110 382,85098 1,476;38246,38414;43769,43959;65137,65936;6760
4,67745;81883,82010;84919,87631

37110 442,65516 443,476;16698,16772;38246,38414;43769,43959;65
137,65517

37110 382,85098 45,476;38246,38414;43769,43959;65137,65936;676
04,67745;81883,82010;84919,85150

37111 1,77745 1,114;646,843;69080,69181;69276,69404;73431,7349
1;75394,75470;76388,76485;76696,76792;77044,77123;77229,77354;77693,80524

37111 63397,77745 63317,63600;66802,66912;67487,67684;69080,69
181;69276,69404;73431,73491;75394,75470;76388,76485;76696,76792;77044,77123;7722
9,77354;77693,80524

37111 63397,77745 63317,63600;66802,66912;67487,67684;69080,69
 181;69276,69404;73431,73491;75394,75470;76388,76485;76696,76792;77044,77123;7722
 9,77354;77693,80528
 37112 1,77745 1,114;646,843;69080,69181;69276,69404;73431,7349
 1;75394,75470;76388,76485;76696,76792;77044,77123;77229,77354;77693,80524
 37112 63397,77745 63317,63600;66802,66912;67487,67684;69080,69
 181;69276,69404;73431,73491;75394,75470;76388,76485;76696,76792;77044,77123;7722
 9,77354;77693,80524
 37112 63397,77745 63317,63600;66802,66912;67487,67684;69080,69
 181;69276,69404;73431,73491;75394,75470;76388,76485;76696,76792;77044,77123;7722
 9,77354;77693,80528
 37113 14701,20508 1,428;10036,10194;14694,14978;15905,16020;16
 566,16733;18262,18684;20374,20508
 37113 14713,54934 14714,14978;15905,16020;16566,16733;18262,18
 684;20374,20562;32557,32724;51712,52131;53566,53757;54854,54934
 37113 14713,54934 9950,10194;14694,14978;15905,16020;16566,167
 33;18262,18684;20374,20562;32557,32724;49465,49632;51712,52131;53566,53757;54854
 ,55181
 37113 14713,54934 9951,10194;14694,14978;15905,16020;16566,167
 33;18262,18684;20374,20562;32557,32724;45330,45497;49465,49632;51712,52131;53566
 ,53757;54854,55181
 37113 14713,54934 9951,10194;14694,14978;15905,16020;16566,167
 33;18262,18684;20374,20562;32557,32724;49465,49632;51712,52131;53566,53757;54854
 ,55181
 37114 43,23824 1,135;12304,12429;15168,15278;15410,15504;22277
 ,22349;23469,23490;23730,23734;23740,23823
 37114 43,23824 1,135;12304,12429;15168,15278;15410,15504;22277
 ,22349;23469,23501;23746,23889
 37114 43,26043 1,135;12304,12429;15168,15278;15410,15504;22277
 ,22349;23469,23664;26038,26949
 37114 43,26043 1,135;12304,12429;15168,15278;15410,15504;22277
 ,22349;23469,23664;26038,27447
 37114 43,23691 1,135;12304,12429;15168,15278;15410,15504;22277
 ,22349;23469,23889
 37115 6505,18264 1,91;6450,6661;8138,8251;10701,10777;13221,13
 389;14873,14946;15963,16282;17094,17175;18153,19256
 37115 6505,18264 6505,6661;8138,8251;10701,10777;13221,13389;1
 4873,14946;15963,16282;17094,17175;18153,19264
 37116 74,2270 1,131;435,543;625,735;1210,2423
 37116 74,2270 16,131;435,543;625,735;1210,2421
 37117 69,4860 1,112;3473,3567;3657,3714;3938,4078;4186,4254;43
 32,4426;4643,4700;4793,5370
 37118 881,2939 1,65;878,3004
 37119 60,24015 1,103;190,293;13742,13796;14297,14388;17419,175
 33;20355,20516;23115,23188;23884,24137;24206,25667
 37119 60,24015 61,103;190,293;13742,13796;14297,14388;17419,17
 533;20355,20516;23115,23188;23884,24952
 37120 4930,8302 1,587;1676,1832;4831,5055;5212,5422;6291,6485;
 6566,6667;7637,7817;8187,8641
 37120 4930,8302 464,587;1676,1832;4831,5055;5212,5422;6291,648

5;6566,6667;7637,7817;8187,8637

37121 5820,25818 1,128;3789,3836;5813,5887;10124,10212;12883,12981;14442,14566;15618,15737;17200,17298;19610,19777;25737,25976

37122 91246,98872 1,59;91211,91291;91995,92702;93351,94019;94150,94213;94489,94568;94737,94828;95056,95135;95227,95269;95523,95585;97124,97238;98495,98880;99088,99294

37122 91246,98872 90544,90697;91211,91291;91569,91736;91995,92702;93351,94019;94150,94213;94489,94568;94737,94828;95056,95135;95227,95269;95523,95585;97124,97238;98495,98880;99088,99294

37122 91246,98872 90544,90697;91211,91291;91995,92702;93351,94019;94150,94213;94489,94568;94737,94828;95056,95135;95227,95269;95523,95585;97124,97238;98495,98880;99088,99294

37122 91246,98872 90570,90697;91211,91291;91995,92702;93351,94019;94150,94213;94489,94568;94737,94828;95056,95135;95227,95269;95523,95585;97124,97238;98495,98880;99088,99294

37122 91246,98872 90581,90697;91211,91291;91569,91736;91995,92702;93351,94019;94150,94213;94489,94568;94737,94828;95056,95135;95227,95269;95523,95585;97124,97238;98495,98880;99088,99294

37122 91207,94121 91208,91291;91995,92702;93351,93479;93484,93516;93519,93545;93550,93582;93585,94121

37123 21557,48631 1,129;21532,21622;26146,26255;29487,29546;30358,30468;45231,45362;47852,47993;48526,49308

37123 21557,79083 2,129;21532,21622;26146,26255;29487,29546;30358,30468;45231,45362;47852,47993;48526,48596;72780,72986;79001,80423

37123 21557,79083 21558,21622;26146,26255;29487,29546;30358,30468;45231,45362;47852,47993;48526,48596;72780,72986;79001,79083

37124 333074,343641 1,25;152053,152093;329006,329055;333033,333159;333253,333355;333547,333775;335318,335465;335725,335824;336347,336533;336641,336887;337413,337508;337617,337768;338851,339016;339749,339859;340966,341210;341359,341486;341724,341942;342418,342652;343233,343319;343322,343382;343438,343439;343501,344497

37124 164851,168742 164702,164908;166882,166990;167263,167373;167685,169761

37124 164851,168742 164725,164908;166882,166990;167263,167373;167685,169761

37125 86,18336 1,152;6756,6924;9336,9419;9895,10004;12299,12424;15441,15518;16265,16364;16728,16879;18205,18536

37125 2840,8066 2841,2908;7856,8066

37126 1214,25346 1,66;522,843;1191,1617;5160,5257;19342,19754;24192,24356;24821,25465

37126 1214,25346 959,1617;5160,5257;19342,19754;24192,24356;24821,26942

37127 76,30448 1,118;13729,13764;13859,13904;24407,24525;28137,28277;30335,32783

37127 486,30448 1,118;425,540;13729,13764;13859,13904;24407,24525;28137,28277;30335,32783

37127 13864,30448 1,118;426,540;13729,13764;13859,13904;24407,24525;28137,28277;30335,32783

37127 28004,30448 26388,28277;30335,32425

37128 76,30448 1,118;13729,13764;13859,13904;24407,24525;28137

,28277;30335,32783
37128 486,30448 1,118;425,540;13729,13764;13859,13904;24407,24
525;28137,28277;30335,32783
37128 13864,30448 1,118;426,540;13729,13764;13859,13904;24407,
24525;28137,28277;30335,32783
37128 28004,30448 26388,28277;30335,32425
37129 57,11777 1,441;10214,10378;10712,10792;11598,12517;13590
,13664
37129 57,11777 1,441;10214,10378;10712,10792;11598,13664
37130 259,59147 1,304;2704,2807;5103,5264;5882,6009;8777,8876;
16245,16463;18759,18903;20880,21068;31885,32033;35083,35245;36855,37019;38539,38
619;38918,39160;42149,42346;58091,58303;59043,59478
37130 259,59147 178,304;2704,2807;5103,5264;5882,6009;8777,887
6;16245,16463;18759,18903;20880,21068;31885,32033;35083,35245;36855,37019;38539,
38619;38918,39160;42149,42346;58091,58303;59043,62329
37131 1458,30011 1,46;1387,1556;9473,9658;14270,14382;18351,18
462;20442,20567;21746,21852;22416,22533;23594,23648;27507,27600;29917,31116
37131 1458,30011 1,46;1387,1556;9473,9658;14270,14382;18351,18
462;20442,20567;21746,21852;22416,22533;23594,23648;27507,27600;29917,31118
37131 540,30011 298,567;1387,1556;9473,9658;14270,14382;18351,
18462;20442,20567;21746,21852;22416,22533;23594,23648;27507,27600;29917,31118
37131 540,30011 298,804;1387,1556;9473,9658;14270,14382;18351,
18462;20442,20567;21746,21852;22416,22533;23594,23648;27507,27600;29917,31116
37131 540,30011 298,804;1387,1556;9473,9658;14270,14382;18351,
18462;20442,20567;21746,21852;22416,22533;23594,23648;27507,27600;29917,31118
37132 248,55742 1,291;34715,34825;41107,41168;50367,50533;5558
0,60775
37132 248,55742 1,291;34715,34825;41107,41168;50367,50533;5558
0,60776
37133 248,55742 1,291;34715,34825;41107,41168;50367,50533;5558
0,60775
37133 248,55742 1,291;34715,34825;41107,41168;50367,50533;5558
0,60776
37134 57751,61024 1,640;38342,38405;57746,57920;60247,60403;60
916,62150
37134 57751,61024 49847,50302;57188,57285;57746,57920;60247,60
403;60916,63491
37134 57751,60485 50223,50302;57746,57920;60247,62150
37135 1160,7453 1,1238;1241,1273;2816,2929;3858,3968;5727,5805
;7368,7629
37135 2653,7453 1144,1273;2597,2692;2816,2929;3858,3968;5727,5
805;7368,7868
37135 2653,7453 1144,1273;2597,2692;2816,2929;3858,3968;5727,5
805;7368,7904
37135 1160,7453 1144,1273;2816,2929;3858,3968;5727,5805;7368,7
904
37136 17412,32484 1,129;4378,4453;17380,17481;21111,21198;2291
9,23013;26603,26793;29274,29359;31005,31106;31757,31878;32377,33825
37136 17412,32484 55,128;4379,4453;17380,17481;21111,21198;229
19,23013;26603,26793;29274,29359;31005,31106;31757,31878;32377,33825

37137 20,42992 1,112;8811,8919;23595,23669;24396,24597;30107,30279;30519,30580;33033,33090;35184,35236;38467,38506;38597,38689;42942,43020;43713,43976

37137 20,42992 18,112;8811,8919;23595,23669;24396,24597;30107,30279;30519,30580;33033,33090;35184,35236;38467,38506;38597,38689;42942,43020;43713,43921;47468,48120

37138 30,7246 1,96;1868,1992;2091,2298;2382,2452;2555,2642;4182,4361;4483,4604;4703,4865;4961,5079;5182,5323;5480,5601;5710,5851;5946,6041;6228,6375;6665,6782;7216,8855

37138 30,7246 1,96;1868,1992;2091,2298;2382,2452;2555,2642;4182,4361;4483,4604;4703,4865;4961,5079;5182,5323;5480,5601;5710,5851;5946,6041;6228,6375;6665,6782;7216,8863

37139 30,7246 1,96;1868,1992;2091,2298;2382,2452;2555,2642;4182,4361;4483,4604;4703,4865;4961,5079;5182,5323;5480,5601;5710,5851;5946,6041;6228,6375;6665,6782;7216,8855

37139 30,7246 1,96;1868,1992;2091,2298;2382,2452;2555,2642;4182,4361;4483,4604;4703,4865;4961,5079;5182,5323;5480,5601;5710,5851;5946,6041;6228,6375;6665,6782;7216,8863

37140 115,38451 111,187;10940,11081;14723,14851;17756,17889;19529,19621;23619,23657;25304,25327;29818,29907;30295,30395;37424,37652;38344,38484

37140 115,38451 1,187;10940,11081;14723,14851;17756,17889;19529,19621;29818,29907;30295,30395;37424,37652;38344,38802

37140 115,38451 37,187;10940,11081;14723,14851;17756,17889;19529,19621;29818,29907;30295,30395;37424,37652;38344,38802

37141 115,38451 111,187;10940,11081;14723,14851;17756,17889;19529,19621;23619,23657;25304,25327;29818,29907;30295,30395;37424,37652;38344,38484

37141 115,38451 1,187;10940,11081;14723,14851;17756,17889;19529,19621;29818,29907;30295,30395;37424,37652;38344,38802

37141 115,38451 37,187;10940,11081;14723,14851;17756,17889;19529,19621;29818,29907;30295,30395;37424,37652;38344,38802

37142 645,4729 1,26;72,331;379,437;492,702;2240,2359;2447,2531;2625,2749;2833,2990;3157,3207;3291,3472;3559,3664;3982,4119;4208,4336;4415,4510;4648,5176

37142 645,4729 431,702;2240,2359;2447,2531;2625,2749;2833,2990;3157,3207;3291,3472;3559,3664;3982,4119;4208,4336;4415,4510;4648,5230

37143 143,2052 1,208;323,545;772,1023;1155,1366;1755,3130

37143 143,2052 1,208;323,545;772,1023;1155,1366;1755,3139

37144 144,4249 1,303;401,470;2968,3073;4123,4494

37144 144,4249 66,303;401,470;2968,3073;4123,4494

37145 3285,6932 1,108;327,523;1863,1946;2202,2380;2514,2562;2654,3470;3556,3659;3767,3851;3933,4001;4216,4290;4912,4944;5062,5183;5279,5374;5454,5565;5672,5962;6434,6548;6665,6735;6740,6931

37145 368,6877 17,108;327,523;1863,1946;2202,2380;2514,2564;2653,2950;3219,3470;3556,3659;3767,3851;3933,4001;4216,4290;4912,4944;5062,5183;5279,5374;5454,5565;5672,5962;6434,6548;6665,7317

37145 992,6877 991,1047;1635,1764;1863,1946;2202,2380;2514,2564;2653,2950;3219,3470;3556,3659;3767,3851;3933,4001;4216,4290;4912,4944;5062,5183;5279,5374;5454,5565;5672,5962;6434,6548;6665,7317

37146 355,15989 1,40;338,393;738,846;1429,1512;1579,1632;2586,
 2706;3307,3353;3599,3671;3938,4153;5027,5159;15980,15989
 37146 1587,5943 1570,1632;2586,2706;3307,3353;3599,3671;3938,4
 153;5027,5159;5555,6127
 37146 355,5279 26,40;338,393;738,846;1429,1632;2586,2706;3307,
 3353;3599,3671;3938,4153;5027,5159;5270,5279
 37146 1587,5943 3,40;338,393;738,846;1429,1632;2586,2706;3307,
 3353;3599,3671;3938,4011;4014,4153;5027,5159;5555,5683;5686,6121
 37146 1587,5943 48,393;738,1632;2586,2706;3307,3353;3599,3671;
 3938,4011;4014,4153;5027,5159;5555,5683;5686,6127
 37147 568,4994 1,119;561,625;3652,3858;4055,4129;4246,4344;442
 1,4576;4686,4769;4947,5419
 37148 100,4070 1,102;2246,2468;2621,2769;3089,4277
 37148 100,4070 1,102;2246,2468;2621,2769;3089,4282
 37149 37,24961 1,141;2728,2820;7616,7712;10232,10372;19751,198
 59;21346,21429;24855,25470;25477,25691
 37149 37,24961 1,141;2728,2820;7616,7712;10232,10372;19751,198
 59;21346,21429;24855,25691
 37150 82,5888 1,191;446,573;693,818;1080,1451;2955,3048;3159,3
 328;4128,4306;5209,5329;5757,6033
 37150 82,5888 8,191;446,573;693,818;1080,1451;2955,3048;3159,3
 328;4128,4306;5209,5329;5757,6038
 37151 16210,35842 1,77;16197,16267;17319,17360;17763,17811;196
 01,19718;32626,32784;34039,34183;35777,37422
 37151 16210,35842 1,77;16197,16267;17319,17360;17763,17811;196
 01,19718;34039,34183;35777,37422
 37152 31,3947 1,34;2004,2075;2297,2362;2588,2627;2927,3046;320
 6,3286;3907,4213
 37152 31,3947 18,34;2004,2075;2297,2362;2588,2627;2927,3046;32
 06,3286;3644,3820;3907,4162;4771,5869
 37153 162,83845 1,408;59556,59658;69865,69962;77271,77449;8375
 8,83881;94162,95846
 37153 363,83845 1,408;59556,59658;69865,69962;77271,77449;8375
 8,83881;94163,95846
 37153 363,83759 1,408;59556,59658;83758,83881;94163,95846
 37154 107134,216837 106997,107470;150928,151082;173893,174173;
 200134,200191;216003,216179;216708,217185
 37154 107413,216837 106997,107470;150928,151082;173893,174173;
 200134,200191;216003,216179;216708,217185
 37154 107413,216837 106997,107470;166592,166743;173893,174173;
 200134,200191;216003,216179;216708,217185
 37154 107134,216837 1,23;107077,107470;166592,166743;173893,17
 4173;200134,200191;216003,216179;216708,217367
 37155 638,6243 1,311;621,982;2388,3009;3301,3486;5004,5277;584
 9,6447
 37156 157,4936 1,195;3885,4004;4411,4488;4798,5787
 37156 157,4936 4,195;3885,4004;4411,4488;4798,5787
 37157 13349,30801 1,46;13323,13464;13852,14450;14677,14697;158
 81,15946;17745,17798;17882,17926;18250,18276;18524,18550;18643,18687;19273,19326
 ;19747,19809;20487,20549;20903,20992;21661,21723;22388,22450;22934,22996;23429,2

3491;23981,24031;24369,24404;24748,24810;26524,26586;26758,26793;27139,27184;273
38,27490;27658,28110;28376,28414;30776,31678
37157 13349,31364 1,46;13323,13464;13852,14450;14677,14697;158
81,15946;17745,17798;17882,17926;18250,18276;18524,18550;18643,18687;19273,19326
;19747,19809;20487,20549;20903,20992;21661,21723;22388,22450;22934,22996;23429,2
3491;23981,24031;24369,24404;24748,24810;26524,26586;26758,26793;27139,27184;273
38,27490;27658,28110;28376,28414;31069,31678
37157 13349,34425 1,46;13323,13464;13852,14450;14677,14697;158
81,15946;17745,17798;17882,17926;18250,18276;18524,18550;18643,18687;19273,19326
;19747,19809;20487,20549;20903,20992;21661,21723;22388,22450;22934,22996;23429,2
3491;23981,24031;24369,24404;24748,24810;26524,26586;26758,26793;27139,27184;273
38,27490;27658,28110;28376,28414;33827,34720
37157 13349,30801 6,46;13323,13464;13852,14450;14677,14697;158
81,15946;17745,17798;17882,17926;18250,18276;18524,18550;18643,18687;19273,19326
;19747,19809;20487,20549;20903,20992;21661,21723;22388,22450;22934,22996;23429,2
3491;23981,24031;24369,24404;24748,24810;26524,26586;26758,26793;27139,27184;273
38,27490;27658,28110;28376,28414;30776,30801
37158 50,15967 1,77;852,1032;3252,3438;6953,7040;7439,7518;769
6,7789;8602,8696;10539,10597;11012,11135;12482,12571;14773,14895;15007,15114;152
05,15323;15774,17077
37158 50,15967 1,77;852,1032;3252,3438;6953,7040;7439,7518;769
6,7789;8602,8696;10539,10597;11012,11135;12482,12571;14773,14895;15007,15114;152
05,15323;15774,17081
37159 2,164176 1,212;152911,153097;155198,155354;158730,158901
;161294,161367;162416,162481;164095,164739
37159 121815,164176 121524,121875;130950,131069;152911,153097;
155198,155354;158730,158901;161294,161367;162416,162481;164095,164739
37159 121815,164176 121524,121875;130950,131069;152911,153097;
155198,155354;158730,158901;161294,161367;162416,162481;164095,164741
37159 121815,165839 121524,121875;130950,131069;152911,153097;
155198,155354;158730,158901;161294,161367;162416,162481;165689,167775
37159 121815,165839 121524,121875;130950,131069;152911,153097;
155198,155354;158730,158901;161294,161367;162416,162481;165689,167776
37159 121815,164176 121524,121875;152911,153097;155198,155354;
158730,158901;161294,161367;162416,162481;164095,164739
37159 121815,164176 121524,121875;152911,153097;155198,155354;
158730,158901;161294,161367;162416,162481;164095,164741
37159 209,164176 7,212;152911,153097;155198,155354;158730,1589
01;161294,161367;162416,162481;164095,164741
37160 2,164176 1,212;152911,153097;155198,155354;158730,158901
;161294,161367;162416,162481;164095,164739
37160 121815,164176 121524,121875;130950,131069;152911,153097;
155198,155354;158730,158901;161294,161367;162416,162481;164095,164739
37160 121815,164176 121524,121875;130950,131069;152911,153097;
155198,155354;158730,158901;161294,161367;162416,162481;164095,164741
37160 121815,165839 121524,121875;130950,131069;152911,153097;
155198,155354;158730,158901;161294,161367;162416,162481;165689,167775
37160 121815,165839 121524,121875;130950,131069;152911,153097;
155198,155354;158730,158901;161294,161367;162416,162481;165689,167776
37160 121815,164176 121524,121875;152911,153097;155198,155354;

158730, 158901; 161294, 161367; 162416, 162481; 164095, 164739
 37160 121815, 164176 121524, 121875; 152911, 153097; 155198, 155354;
 158730, 158901; 161294, 161367; 162416, 162481; 164095, 164741
 37160 209, 164176 7, 212; 152911, 153097; 155198, 155354; 158730, 1589
 01; 161294, 161367; 162416, 162481; 164095, 164741
 37161 142, 14053 1, 157; 3760, 3817; 3910, 3974; 4576, 4649; 5872, 5903;
 9108, 9223; 12432, 12508; 13957, 14449
 37161 142, 14053 1, 208; 3760, 3817; 3910, 3974; 4576, 4649; 5872, 5903;
 9108, 9223; 12432, 12508; 13957, 14449
 37162 72, 41057 1, 235; 5717, 6249; 10089, 10299; 11374, 11567; 16331, 1
 6420; 19334, 19454; 22020, 22109; 23038, 23179; 25126, 25334; 25683, 25801; 26734, 26886; 281
 79, 28274; 33326, 33517; 36897, 37052; 37619, 37721; 39423, 39608; 40295, 40457; 40976, 41077
 ; 47876, 49023
 37162 72, 41057 68, 235; 5717, 6249; 10089, 10299; 11374, 11567; 16331,
 16420; 19334, 19454; 22020, 22109; 23038, 23179; 25126, 25334; 25683, 25801; 26734, 26886; 28
 179, 28274; 33326, 33517; 36897, 37052; 37619, 37721; 39423, 39608; 40295, 40457; 40976, 4107
 7; 47876, 49435
 37163 1965, 2698 1167, 1310; 1872, 2064; 2228, 2294; 2402, 2502; 2582, 3
 017
 37163 1670, 2698 1167, 1747; 1872, 2064; 2228, 2294; 2402, 2502; 2582, 3
 017
 37163 1965, 2698 1167, 2064; 2228, 2294; 2402, 2502; 2582, 3017
 37163 1965, 2698 1, 96; 1872, 2064; 2228, 2294; 2402, 2502; 2582, 3017
 37163 1965, 2698 711, 925; 1872, 2064; 2228, 2294; 2402, 2502; 2582, 301
 7
 37164 725, 14719 1, 945; 7988, 8151; 14573, 16669
 37165 52, 17890 1, 109; 447, 555; 2703, 2813; 16827, 18328
 37165 52, 17890 18, 109; 447, 555; 2703, 2813; 16827, 18328
 37166 48, 2918 1, 50; 998, 1156; 1481, 1609; 2084, 2221; 2828, 3429
 37166 998, 2918 998, 1165; 1481, 1609; 2084, 2221; 2828, 3443
 37167 253, 22000 1, 287; 8457, 9283; 20992, 21112; 21690, 25538
 37167 253, 22000 1, 287; 8457, 9283; 20992, 21115; 21690, 25536
 37168 253, 22000 1, 287; 8457, 9283; 20992, 21112; 21690, 25538
 37168 253, 22000 1, 287; 8457, 9283; 20992, 21115; 21690, 25536
 37169 80265, 181450 1, 137; 16455, 16551; 80123, 80318; 99252, 99455; 1
 42725, 142868; 152010, 152196; 154936, 154983; 172152, 172324; 174602, 174625; 174706, 1748
 35; 175425, 175560; 181224, 181449
 37169 80265, 181450 20820, 21098; 80126, 80318; 99252, 99455; 142725,
 142868; 152010, 152196; 154936, 154983; 172152, 172324; 174602, 174625; 174706, 174835; 175
 425, 175560; 181128, 183704
 37169 80265, 181450 20846, 21098; 80123, 80318; 99252, 99455; 142725,
 142868; 152010, 152196; 154936, 154983; 172152, 172324; 173819, 173842; 174706, 174835; 175
 425, 175560; 181128, 183704
 37169 80265, 181450 20846, 21098; 80123, 80318; 99252, 99455; 142725,
 142868; 152010, 152196; 154936, 154983; 172152, 172324; 174706, 174835; 175425, 175560; 181
 128, 183704
 37170 80265, 181450 1, 137; 16455, 16551; 80123, 80318; 99252, 99455; 1
 42725, 142868; 152010, 152196; 154936, 154983; 172152, 172324; 174602, 174625; 174706, 1748
 35; 175425, 175560; 181224, 181449
 37170 80265, 181450 20820, 21098; 80126, 80318; 99252, 99455; 142725,

142868;152010,152196;154936,154983;172152,172324;174602,174625;174706,174835;175425,175560;181128,183704
37170 80265,181450 20846,21098;80123,80318;99252,99455;142725,142868;152010,152196;154936,154983;172152,172324;173819,173842;174706,174835;175425,175560;181128,183704
37170 80265,181450 20846,21098;80123,80318;99252,99455;142725,142868;152010,152196;154936,154983;172152,172324;174706,174835;175425,175560;181128,183704
37171 14446,49253 1,46;11844,11937;13972,16594;29610,29737;35906,36050;41473,41601;49044,52067
37171 14446,49253 23,46;11844,11937;13972,16594;29610,29737;35906,36050;41473,41601;49044,52072
37172 58,51347 1,297;35566,35778;41994,42146;44047,44502;45220,46263;46854,47005;49339,49549;51341,51541
37172 58,51347 1,297;35566,35778;41994,42146;44047,44502;45220,46263;46854,47005;49339,49549;51341,53439
37172 58,49649 1,297;35566,35778;41994,42146;44047,44502;45220,46263;46854,47005;49339,53438
37172 58,49649 58,297;35566,35778;41994,42146;44047,44502;45220,46263;46854,47005;49339,53431
37173 451,91459 1,98;442,607;31663,31896;57592,57726;69550,69775;69881,69983;72330,72437;75662,75796;76793,76842;78096,78220;86166,86272;86397,86618;89985,90005;90554,90678;91305,91531
37173 451,92643 27,98;442,607;31663,31896;57592,57726;69550,69775;69881,69983;72330,72437;75662,75796;76793,76842;78096,78220;86166,86272;86397,86618;90554,90678;91305,91446;92469,93744
37174 451,91459 1,98;442,607;31663,31896;57592,57726;69550,69775;69881,69983;72330,72437;75662,75796;76793,76842;78096,78220;86166,86272;86397,86618;89985,90005;90554,90678;91305,91531
37174 451,92643 27,98;442,607;31663,31896;57592,57726;69550,69775;69881,69983;72330,72437;75662,75796;76793,76842;78096,78220;86166,86272;86397,86618;90554,90678;91305,91446;92469,93744
37175 65206,76526 111,127;65206,65495;67839,67946;76090,76570
37175 129,2896 1,418;964,1071;2460,3178
37175 129,2896 37,418;964,1071;2460,3178
37176 22306,25599 1,72;568,917;22289,22360;22490,22564;22654,22758;23648,23756;23877,23971;24456,24535;24648,24856;24936,25037;25120,25265;25489,25760
37176 22306,25599 1,72;568,917;22289,22360;22490,22564;22654,22758;23651,23756;23877,23971;24456,24535;24648,24856;24936,25037;25120,25265;25489,25760
37177 898,23441 1,1189;4671,4923;7020,7200;8886,8946;8951,8983;10467,10580;10668,10839;13033,13128;19555,19697;20127,20223;22280,22367;23249,23777
37177 898,23441 685,1189;4671,4923;7020,7200;8886,8983;10467,10580;10668,10839;13033,13128;19555,19697;20127,20223;22280,22367;23249,23778
37178 17661,55364 1,74;17534,17698;21458,21602;25093,25168;33602,33736;34786,34883;40634,40816;42535,42642;43267,43356;45523,45646;48060,48188;50684,50807;53180,53270;55262,57690
37178 17661,55364 1,74;17534,17698;21494,21602;25093,25168;336

02,33736;34786,34883;40634,40816;42535,42642;43267,43356;45523,45646;48060,48188
;50684,50807;53180,53270;55262,57690
37178 34785,41543 56,74;17534,17698;21494,21602;25093,25168;33
602,33736;34786,34883;40634,40816;41486,41543
37179 210,217589 1,348;82860,83029;110477,110594;119287,119427
;121936,122076;133527,133616;190446,190509;203318,203392;208155,208245;217571,21
7635;223983,224264
37179 210,223998 1,348;82860,83029;110477,110594;119287,119427
;121936,122076;133527,133616;190446,190509;203318,203392;208155,208245;223983,22
4264
37179 210,217589 211,348;82860,83029;110477,110594;119287,1194
27;121936,122076;133527,133616;190446,190509;203318,203392;208155,208245;217571,
217589
37180 57,25659 1,105;1470,1538;17022,17140;19685,19796;24141,2
4243;25562,28376
37181 4664,66021 1,126;4603,4690;16281,16446;17029,17118;17872
,17955;18954,19057;22006,22108;50757,50836;58587,58755;61236,61331;65179,66146
37181 16431,66021 1,126;4604,4690;16281,16446;17029,17118;1787
2,17955;18954,19057;22006,22108;50757,50836;58587,58755;61236,61331;65179,66147
37181 16053,27034 12,126;4604,4690;14245,14320;15967,16446;170
29,17115;17872,17955;18954,19057;22006,22108;22873,22962;23129,28273
37181 16062,23917 16060,16446;17029,17118;17872,17955;18954,19
057;22006,22108;23129,23918
37181 4664,27034 9,126;4604,4690;16281,16446;17029,17118;17872
,17955;18954,19057;22006,22108;22870,22962;23129,28276
37182 100,8146 1,103;4384,4606;4747,4895;7172,8249
37182 100,8252 25,103;4384,4606;4747,4895;7565,7989;8066,8252
37183 7481,23807 1,92;4378,4477;7465,7544;19727,19918;21614,21
688;22690,22791;22871,23002;23095,23178;23739,24286
37184 7481,23807 1,92;4378,4477;7465,7544;19727,19918;21614,21
688;22690,22791;22871,23002;23095,23178;23739,24286
37185 93,13057 1,192;7434,7651;7738,8142;9413,9588;10187,10403
;10634,10821;11512,11550;11714,11822;11943,12008;12177,12289;12945,13175
37185 93,13057 7,192;7434,7651;7738,8142;9413,9588;10187,10403
;10634,10821;11512,11550;11714,11822;11943,12008;12177,12289;12945,13169
37185 9542,11889 7527,7651;7738,7809;8024,8142;9413,9588;10187
,10403;10634,10821;11512,11550;11714,12289;12945,13152
37186 118,16534 1,198;8334,8387;10464,10569;16385,18029
37186 58,16534 47,198;8334,8387;10464,10569;16385,18026
37187 47,3008 1,247;1322,1444;2804,3147
37187 47,3008 22,247;1322,1444;2804,3145
37188 25597,26362 1,758;25362,28584
37189 25597,26362 1,758;25362,28584
37190 25597,26362 1,758;25362,28584
37191 369,1243 1,810;1199,1257;1825,3298
37192 369,1243 1,810;1199,1257;1825,3298
37193 286,46510 1,429;25937,26042;38308,38421;39459,39570;4057
8,40651;40739,40849;41427,41458;41892,42047;44920,44992;46196,49040
37193 286,46510 1,429;25937,26042;38308,38421;39459,39570;4057
8,40651;40739,40849;41427,41458;41892,42047;44920,44992;46196,49042

37193 286,46510 1,429;25937,26042;38308,38421;39459,39570;4057
8,40849;41427,41458;41892,42047;44920,44992;46196,49040

37193 286,46510 1,429;25937,26042;38308,38421;39459,39570;4057
8,40849;41427,41458;41892,42047;44920,44992;46196,49042

37194 76350,194509 1,236;76319,76378;78700,78792;80110,80173;9
2566,92726;107665,107844;109332,109428;112819,112919;119444,119507;123396,123533
;125234,125349;129582,129844;132250,132399;132489,132629;138982,139069;139515,13
9654;151862,151989;154900,155129;157329,157450;159951,159965;168496,168743;17143
4,171593;175788,175993;176762,176844;181008,181174;184339,184384;187145,187266;1
91828,191945;193962,194153;194508,196018

37194 76350,245821 1,236;76319,76378;78700,78792;80110,80173;9
2566,92726;107665,107844;109332,109428;112819,112919;119444,119507;123396,123533
;125234,125349;129582,129844;132250,132399;132489,132629;138982,139069;139515,13
9654;151862,151989;154900,155129;157329,157450;159951,159965;168496,168743;17143
4,171593;175788,175993;176762,176844;181008,181174;184339,184384;187145,187266;1
91828,191945;193962,194153;214257,214378;216207,216313;222672,222855;224754,2248
52;232875,233042;239764,239976;241071,241192;242562,242644;242960,243043;243808,
243981;245673,246826

37195 76350,194509 1,236;76319,76378;78700,78792;80110,80173;9
2566,92726;107665,107844;109332,109428;112819,112919;119444,119507;123396,123533
;125234,125349;129582,129844;132250,132399;132489,132629;138982,139069;139515,13
9654;151862,151989;154900,155129;157329,157450;159951,159965;168496,168743;17143
4,171593;175788,175993;176762,176844;181008,181174;184339,184384;187145,187266;1
91828,191945;193962,194153;194508,196018

37195 76350,245821 1,236;76319,76378;78700,78792;80110,80173;9
2566,92726;107665,107844;109332,109428;112819,112919;119444,119507;123396,123533
;125234,125349;129582,129844;132250,132399;132489,132629;138982,139069;139515,13
9654;151862,151989;154900,155129;157329,157450;159951,159965;168496,168743;17143
4,171593;175788,175993;176762,176844;181008,181174;184339,184384;187145,187266;1
91828,191945;193962,194153;214257,214378;216207,216313;222672,222855;224754,2248
52;232875,233042;239764,239976;241071,241192;242562,242644;242960,243043;243808,
243981;245673,246826

37196 87,4889 1,160;1561,1644;1728,1821;3312,3395;4772,5170

37197 45,9063 1,120;4059,4319;7635,7910;8779,9336

37198 60281,66994 11,327;23243,23282;39439,39510;42132,42259;4
3114,43237;43599,43630;47837,47948;59957,60432;65754,68115

37198 65758,66994 1,327;39439,39510;42187,43630;47861,47948;65
754,68115

37198 60281,66994 1,327;39439,39510;42187,43630;47875,47948;59
957,60432;65754,68115

37198 65758,66994 33,327;39439,39510;42219,42567;43599,43630;4
7875,47948;59957,60432;65754,67671

37199 1,29974 1,89;14865,14985;19774,19881;25183,25219;28043,3
0877

37200 150,4118 1,193;1070,1180;1925,1989;2277,2443;3896,5785

37201 4478,36973 1,375;4445,4688;18313,18425;24521,24734;25842
,25955;29841,29934;31238,31376;36778,37771

37201 4478,36973 3448,3668;4445,4688;18313,18425;24521,24734;2
5842,25955;29841,29934;31238,31376;36778,37771

37201 4478,36973 3448,3668;4445,4688;25842,25955;29841,29934;3

1238,31376;36778,37771

37201 4478,36973 3485,3668;4445,4688;29841,29934;31238,31376;3
6778,37503

37201 4478,36973 4478,4688;18313,18425;36778,37771

37201 4478,36973 4478,4688;25842,25955;29841,29934;31238,31376
;36778,37771

37201 4478,36973 4478,4688;29841,29934;31238,31376;36778,37771

37201 4478,36795 4478,4688;36778,37771

37201 4478,24180 4478,4692;24170,24179

37202 806,45475 10,177;665,877;4357,4433;20870,21008;24063,241

67;24926,24988;31307,31403;32442,32517;36757,36985;38244,38362;41001,41056;41658
,41728;41936,42037;42151,42364;44135,44246;45414,46925

37202 806,45475 10,177;665,877;4357,4433;20870,21008;24063,241

67;24926,24988;31307,31403;32442,32517;36757,36985;38244,38362;41001,41056;41658
,41728;41936,42037;42151,42364;44135,44246;45414,46926

37202 806,39788 1,177;668,877;4357,4433;20870,21008;24063,2416

7;24926,24988;31307,31403;32442,32517;36757,36985;38244,38362;39763,39787

37202 806,39788 742,877;4357,4433;20870,21008;24063,24167;2492

6,24988;31307,31403;32442,32517;36757,36985;38244,38362;39763,40348

37203 460,77642 1,581;54110,54261;55135,55211;56462,56567;6189

9,62005;63609,63761;65536,65646;66269,66357;68679,68727;69119,69212;70857,70947;
73103,73227;73964,74106;76842,76893;77604,78043

37203 460,77642 1,581;54110,54261;55135,55211;56462,56567;6189

9,62005;63609,63761;65536,65646;66269,66357;68679,68727;69119,69212;70857,70947;
73103,73227;73964,74106;76842,76893;77604,78044

37203 460,77642 460,581;54110,54261;55135,55211;56462,56567;61

899,62005;65536,65646;66269,66357;68679,68727;69119,69212;70857,70947;73103,7322
7;73964,74106;76842,76893;77607,77641

37204 4536,37831 1,245;4480,4816;15245,15449;17896,18071;19755

,19927;25943,26136;27161,27301;28791,28979;31200,31250;36260,36326;37739,38304

37204 4536,37831 1,245;4480,4816;15245,15449;17896,18071;19755

,19927;25943,26136;27161,27301;28791,28979;36260,36326;37739,38304

37205 57,33057 1,492;10256,10456;15600,15731;16136,16289;22222

,22283;24200,24299;25753,25886;26376,26435;32896,35745

37206 569,83036 125,434;502,707;42474,42631;55032,55309;55706,

55763;67434,67610;82910,84821;85051,85319

37206 569,83036 1,436;504,707;42474,42631;55032,55309;55706,55

763;67434,67610;82910,84823

37206 569,83036 1,707;42474,42631;55032,55309;55706,55763;6743

4,67610;82910,84823

37207 458,5895 1,129;451,568;794,842;1449,1655;2154,2276;2575,

2691;2836,2955;4183,4302;4391,4517;4756,4951;5733,5967;6100,6370

37207 458,5895 66,129;451,568;794,842;1449,1655;2154,2276;2575

,2691;2836,2955;4183,4302;4391,4517;4756,4951;5733,5967;6100,6364

37208 446,257211 1,503;156382,156420;162249,162502;168632,1687

88;189767,189871;214744,214935;249883,250044;256735,261537

37208 159608,257211 159608,159668;162249,162502;168632,168788;

189767,189871;214744,214935;249883,250044;256735,261541

37208 162233,257367 160655,162502;168632,168788;189767,189871;

214744,214935;249883,250044;256735,257177;257182,257194;257290,257366

37208	162233,257211	160655,162502;168632,168788;189767,189871; 214744,214935;249883,250044;256735,261543
37208	162233,227678	161465,162502;168632,168788;189767,189871; 214744,214935;227649,228068
37208	162233,192933	162233,162502;168632,168788;189767,189871; 192898,192932
37208	446,257211	47,503;156382,156420;162249,162502;168632,168 788;189767,189871;214744,214935;249883,250044;256735,261543
37208	168677,257211	57,177;387,503;168632,168788;189767,189871 ;214744,214935;249883,250044;256735,257590
37209	30,5912	1,72;3871,3985;4798,4898;5736,7200
37210	325,14485	1,62;317,511;12890,13080;14356,14863
37210	325,14485	84,511;12890,13080;14356,14863
37211	148,5406	1,218;1470,1520;1600,1701;1861,1941;2041,2121;2 815,3137;3396,3770;4291,4511;4664,4751;5176,5492
37211	148,5406	24,218;1470,1520;1600,1701;1861,1941;2041,2121; 2815,3137;4291,4511;4664,4751;5176,5493
37211	148,5406	46,218;1470,1520;1600,1701;1861,1941;2041,2121; 2815,3137;3396,3770;4291,4511;4664,4751;5176,5499
37211	148,5406	46,218;1470,1520;1600,1701;1861,1941;2041,2121; 2815,3137;4291,4511;4664,4751;5176,5499
37212	112,35143	111,240;28510,28638;31043,31072;35134,35157;36 211,36246;38321,38690
37212	112,35143	112,240;28510,28638;31043,31072;35134,35157;36 212,36246;38322,38690
37212	112,38404	1,240;28510,28638;31043,31072;36212,36246;3832 2,38694
37212	112,38404	47,240;28510,28638;31043,31072;36212,36246;383 22,38690
37213	23,10684	1,60;1600,1649;1893,1974;2605,2681;3605,3683;37 74,3877;4579,4727;4908,4992;5077,5207;5303,5410;5640,5697;5857,5922;6039,6119;74 88,7626;8071,8180;9123,9218;10036,10121;10228,10385;10599,10746
37213	2773,4075	2774,2800;2811,2858;2863,3009;3015,3227;3229,3 291;3293,3683;3774,4075
37213	23,10684	9,60;1600,1649;1893,1974;2605,2681;3605,3683;37 74,3877;4579,4727;4908,4992;5077,5207;5303,5410;5640,5697;5857,5922;6039,6119;74 88,7626;8071,8180;9123,9218;10036,10121;10228,10385;10599,10685
37214	81,53395	1,182;9799,9883;12477,12636;13829,14019;15745,1 5867;20709,20783;24591,24686;25193,25271;26911,26945;29756,29782;31296,31381;342 35,34346;45657,45728;47532,47565;49427,49529;50346,50415;52622,52702;53059,53117 ;53317,53842
37214	81,53395	17,182;9799,9883;12477,12636;13829,14019;15745, 15867;20709,20783;24591,24686;25193,25271;26911,26945;29756,29782;31296,31381;34 235,34346;45657,45728;47532,47565;49427,49529;50346,50415;52622,52702;53059,5311 7;53317,53792
37215	95,2888	1,151;969,1077;1369,1479;1827,3355
37215	95,2888	1,151;969,1077;1369,1479;1827,3357
37216	179,33027	1,193;19717,19767;26163,26192;31109,31159;3235 0,32422;33013,33492
37216	179,33052	1,193;19717,19767;26163,26192;31109,31159;3235

0,32463;33013,33490
 37216 179,33052 1,193;19717,19767;26163,26192;31109,31159;3235
 0,32463;33013,33492
 37216 16066,33052 16066,16080;19717,19767;26163,26192;31109,31
 159;32350,32463;33013,33492
 37217 42449,45215 1,118;42324,43779;44929,45315
 37217 42449,141723 42450,43779;44929,45125;89081,89171;97041,9
 7203;109822,110017;135243,135326;141682,141768;148885,148974;171185,171269;18475
 9,189823
 37217 43166,184853 42614,43779;44929,45125;89081,89171;97041,9
 7203;109822,110017;135243,135326;141682,141768;148885,148974;171185,171269;18475
 9,189826
 37218 1179,5310 1,52;1180,1297;3732,3794;5237,5532
 37218 576,5310 76,206;551,636;1180,1297;3732,3794;5237,5532
 37218 576,5310 76,206;551,636;1180,1297;3732,3794;5237,5536
 37219 665,2764 1,667;962,1051;1830,1932;2705,3386
 37219 665,2764 629,667;962,1051;1830,1932;2705,3382
 37219 665,1166 629,667;962,1932;2705,3386
 37220 44,686 1,732
 37220 44,686 44,685
 37221 70,23784 1,184;5064,5158;6917,7048;10579,10725;10827,108
 81;13850,13980;16198,16439;16586,16800;17319,17483;17563,17661;17912,17969;18130
 ,18304;18705,18823;20464,20562;20835,20954;21188,21292;21518,21686;21990,22185;2
 2283,22452;22541,22672;22752,22859;23070,23254;23403,23536;23692,24296
 37221 70,22385 70,184;5064,5158;6917,7048;10579,10725;10827,10
 881;13850,13980;16198,16439;16586,16800;17319,17483;17563,17661;17912,17969;1813
 0,18304;18705,18823;20464,20562;20835,20954;21188,21292;21518,21686;22283,22452;
 22541,22672;22752,22859;23070,23254;23403,23536;23692,24138
 37222 70,23784 1,184;5064,5158;6917,7048;10579,10725;10827,108
 81;13850,13980;16198,16439;16586,16800;17319,17483;17563,17661;17912,17969;18130
 ,18304;18705,18823;20464,20562;20835,20954;21188,21292;21518,21686;21990,22185;2
 2283,22452;22541,22672;22752,22859;23070,23254;23403,23536;23692,24296
 37222 70,22385 70,184;5064,5158;6917,7048;10579,10725;10827,10
 881;13850,13980;16198,16439;16586,16800;17319,17483;17563,17661;17912,17969;1813
 0,18304;18705,18823;20464,20562;20835,20954;21188,21292;21518,21686;22283,22452;
 22541,22672;22752,22859;23070,23254;23403,23536;23692,24138
 37223 1526,10584 1,97;1526,1598;1761,1846;3130,3169;3652,3732;
 4176,4283;4613,4722;5978,6026;6570,6690;7404,7498;7883,7948;8412,8511;8882,9034;
 10016,10898
 37224 180946,190004 179420,179516;180945,181017;181180,181265;
 182549,182588;183071,183151;183595,183702;184032,184141;185397,185445;185989,186
 109;186823,186917;187302,187367;187831,187930;188301,188453;189435,190317
 37224 180946,190004 180946,181017;181180,181265;182549,182588;
 183071,183151;183595,183702;184032,184141;185397,185445;185989,186109;186823,186
 917;187302,187367;187831,187930;188301,188453;189435,190317
 37224 1509,10566 1,97;1508,1580;1743,1828;3112,3151;3634,3714;
 4158,4265;4595,4704;5959,6007;6551,6671;7385,7479;7864,7929;8393,8492;8863,9015;
 9997,10879
 37224 51735,60792 50209,50305;51734,51806;51969,52054;53338,53
 377;53860,53940;54384,54491;54821,54930;56185,56233;56777,56897;57611,57705;5809

0,58155;58619,58718;59089,59241;60223,61105

37225 180946,190004 179420,179516;180945,181017;181180,181265;
182549,182588;183071,183151;183595,183702;184032,184141;185397,185445;185989,186
109;186823,186917;187302,187367;187831,187930;188301,188453;189435,190317

37225 1509,10566 1,97;1508,1580;1743,1828;3112,3151;3634,3714;
4158,4265;4595,4704;5959,6007;6551,6671;7385,7479;7864,7929;8393,8492;8863,9015;
9997,10879

37225 51735,60792 50209,50305;51734,51806;51969,52054;53338,53
377;53860,53940;54384,54491;54821,54930;56185,56233;56777,56897;57611,57705;5809
0,58155;58619,58718;59089,59241;60223,61105

37225 1509,10566 7,97;1508,1580;1743,1828;3112,3151;3634,3714;
4158,4265;4595,4704;5959,6007;6551,6671;7385,7479;7864,7929;8393,8492;8863,9015;
9997,10565

37226 180946,190004 179420,179516;180945,181017;181180,181265;
182549,182588;183071,183151;183595,183702;184032,184141;185397,185445;185989,186
109;186823,186917;187302,187367;187831,187930;188301,188453;189435,190317

37226 1509,10566 1,97;1508,1580;1743,1828;3112,3151;3634,3714;
4158,4265;4595,4704;5959,6007;6551,6671;7385,7479;7864,7929;8393,8492;8863,9015;
9997,10879

37226 51735,60792 50209,50305;51734,51806;51969,52054;53338,53
377;53860,53940;54384,54491;54821,54930;56185,56233;56777,56897;57611,57705;5809
0,58155;58619,58718;59089,59241;60223,61105

37226 51735,60792 50215,50305;51734,51806;51969,52054;53338,53
377;53860,53940;54384,54491;54821,54930;56185,56233;56777,56897;57611,57705;5809
0,58155;58619,58718;59089,59241;60223,61105

37227 1506,8232 1,76;1505,1577;1740,1825;3109,3148;3631,3711;4
156,4263;4593,4702;5955,6003;6547,6667;7384,7478;7863,8491;8858,9010;9992,10869

37227 1506,8232 1,76;1505,1577;1740,1825;3109,3148;3631,3711;4
156,4263;4593,4702;5955,6003;6547,6667;7384,7478;7863,8491;8858,9010;9992,10874

37228 44770,45478 12,425;5346,5591;9581,9708;44711,47375

37228 336,9818 1,425;5346,5543;5548,5565;5571,5591;9581,11080

37228 234,9818 27,425;5346,5591;9581,12520

37229 2,9390 1,297;395,447;3271,3384;4327,4350;7603,7726;7853,
7911;8339,8389;8710,8794;8871,8997;9294,10027

37229 435,9390 158,447;3271,3384;4327,4350;7603,7726;7853,7911
;8339,8389;8710,8794;8871,8997;9294,10025

37229 207,9390 61,447;3271,3384;4327,4350;7603,7726;7853,7911;
8339,8389;8710,8794;8871,8997;9294,10027

37229 435,3882 91,238;395,447;3271,3384;3796,3881

37230 372,11865 1,485;9707,9816;11453,12610

37230 372,11865 211,485;9707,9816;11453,12610

37231 694,51192 1,982;4143,4240;7281,7410;7684,7830;8744,8883;
10778,10843;14652,14778;15925,16053;16919,17047;20958,21205;41690,41779;51087,51
516

37231 694,51192 694,765;808,981;4145,4240;7281,7410;7684,7830;
8744,8883;10778,10843;14652,14778;15925,16053;16919,17047;20958,21205;41690,4177
9;51087,51508

37231 694,51192 694,981;4145,4240;7281,7410;7684,7830;8744,888
3;10778,10843;14652,14778;15925,16053;16919,17047;20958,21205;41690,41779;51087,
51516

37231	898,51192	898,981;4145,4240;7281,7410;7684,7830;8695,8696;8744,8785;8788,8883;10778,10843;14652,14778;15925,16053;16919,17047;20958,21205;41690,41779;51087,51508
37232	174,4183	1,492;960,1732;2792,2963;3193,3269;3472,3617;3774,4571
37232	174,4183	1,492;960,1772;3193,3269;3472,3617;3774,4571
37232	174,4183	175,492;960,1732;1769,1772;3193,3269;3472,3617;3774,4183
37232	174,4183	175,492;960,1772;3193,3269;3472,3617;3774,4183
37232	174,4183	79,492;960,1732;2792,2963;3193,3269;3472,3617;3774,4571
37233	68,79826	1,279;5278,5432;6971,7249;9291,9437;11146,11295;13173,13306;26619,26818;42425,42534;59908,60031;63535,63685;67842,67939;71902,72147;73244,73448;75149,75396;77573,77748;79656,80098
37234	83,19010	1,329;2203,2346;3368,3528;9275,9461;18600,20297
37234	83,19010	1,329;2203,2346;3368,3528;9275,9461;18600,20305
37234	83,18619	1,329;2203,2346;9275,9461;18600,20305
37234	83,18619	71,329;2203,2346;9275,9461;18600,20928
37235	83,19010	1,329;2203,2346;3368,3528;9275,9461;18600,20297
37235	83,19010	1,329;2203,2346;3368,3528;9275,9461;18600,20305
37235	83,18619	1,329;2203,2346;9275,9461;18600,20305
37235	83,18619	71,329;2203,2346;9275,9461;18600,20928
37236	83,19010	1,329;2203,2346;3368,3528;9275,9461;18600,20297
37236	83,19010	1,329;2203,2346;3368,3528;9275,9461;18600,20305
37236	83,18619	1,329;2203,2346;9275,9461;18600,20305
37236	83,18619	71,329;2203,2346;9275,9461;18600,20928
37237	1941,19712	1,139;1862,1992;6648,6796;7196,7289;7382,7460;7555,7652;8382,8702;8791,8863;9491,9562;9644,10165;10358,10530;13986,14138;14217,14292;15416,15580;15681,15743;15952,16021;17350,17523;17745,17862;18428,18579;19568,19732;22999,23306
37237	1941,23149	2,137;1860,1992;6648,6796;7196,7289;7382,7460;7555,7652;8382,8702;8791,8863;9491,9562;9644,10165;10358,10530;13986,14138;14217,14292;15416,15580;15681,15743;15952,16021;17350,17523;17745,17862;18428,18579;22999,23306
37237	1941,23149	2,137;1860,1992;6648,6796;7196,7289;7382,7460;7555,7652;8382,8702;8791,8863;9491,9562;9644,9783;9786,9863;9868,10165;10358,10530;13986,14138;14217,14292;15416,15580;15681,15743;15952,16021;17350,17523;17745,17862;18428,18579;19568,19636;22999,23306
37237	1941,23149	2,139;1862,1992;6648,6796;7196,7289;7382,7460;7555,7652;8382,8702;8791,8863;9491,9562;9644,10165;10358,10530;13986,14138;14217,14292;15416,15580;15681,15743;15952,16021;17350,17523;17745,17862;18428,18579;19568,19636;22999,23306
37237	1941,19712	2,139;1862,1992;6648,6796;7196,7289;7382,7460;7555,7652;8382,8702;8791,8863;9491,9562;9644,10165;10358,10530;13986,14138;14217,14292;15416,15580;15681,15743;15952,16021;17350,17523;17745,17862;18428,18579;19568,19732;22999,23306
37237	1941,23149	2,139;1862,1992;6648,6796;7196,7289;7382,7460;7555,7652;8382,8702;8791,8863;9491,9562;9644,10165;10358,10530;13986,14138;14217,14292;15416,15580;15681,15743;15952,16021;17350,17523;17745,17862;18428,18579;22999,23306

37238 453,4407 1,582;677,824;896,963;1077,1166;2790,2896;2987,
3055;3729,3813;3908,3992;4073,4688

37238 453,4407 1,582;677,844;847,963;1077,1166;2790,2896;2987,
3055;3729,3813;3908,3992;4073,4688

37239 203,40329 1,330;27964,28030;28979,29185;32279,32391;3249
5,32640;33499,33571;34199,34350;34769,34896;36280,36501;38941,39061;40132,42315

37240 214,302996 1,452;20157,20263;78831,78964;112655,112728;1
17209,117255;117258,117330;172729,172877;280641,280705;291837,292038;292956,2930
96;293926,294001;295025,295207;296589,296759;296843,297010;297897,298061;300021,
300284;302833,305113

37240 214,302996 1,452;20157,20263;78831,78964;112655,112728;1
17209,117330;172729,172877;280641,280705;291837,292038;292956,293096;293926,2940
01;295025,295207;296589,296759;296843,297010;297897,298061;300021,300284;302833,
305113

37241 214,302996 1,452;20157,20263;78831,78964;112655,112728;1
17209,117255;117258,117330;172729,172877;280641,280705;291837,292038;292956,2930
96;293926,294001;295025,295207;296589,296759;296843,297010;297897,298061;300021,
300284;302833,305113

37241 214,302996 1,452;20157,20263;78831,78964;112655,112728;1
17209,117330;172729,172877;280641,280705;291837,292038;292956,293096;293926,2940
01;295025,295207;296589,296759;296843,297010;297897,298061;300021,300284;302833,
305113

37242 122,21526 1,244;10789,10972;12396,12494;13860,13984;1667
1,16844;19100,19259;21434,22522

37242 122,21526 23,244;10789,10972;12396,12494;13860,13984;166
71,16844;19100,19259;21434,22519

37243 5889,10766 1,17;142,237;5873,6508;8568,8838;9276,9423;10
584,11637

37243 5889,10766 1,17;142,237;5873,6508;8568,8838;9276,9423;10
584,11641

37243 5889,10766 5890,6508;8568,8838;9276,9423;10584,11641

37244 10299,21966 10294,10548;12385,12449;16635,16697;16887,16
949;17070,17081;18438,18575;18685,18734;19637,19698;20574,20707;20917,21090;2130
3,21443;21521,21673;21852,23410

37244 10347,21966 10294,10548;12385,12449;16635,16706;18438,18
575;18685,18734;19637,19698;20574,20707;20917,21090;21303,21443;21521,21673;2185
2,23358

37244 10347,21966 1,111;10298,10548;12385,12449;16635,16697;17
693,17704;18438,18575;18685,18734;19637,19698;20574,20707;20917,21090;21303,2144
3;21521,21673;21852,23410

37244 71,22771 71,111;10298,10548;12385,12449;16635,16706;1843
8,18575;18685,18734;19637,19698;20574,20707;20917,21090;21303,21443;21521,21622;
21628,21630;22726,22770

37245 109,115781 1,362;88826,88941;90163,90336;92409,92570;115
725,116450

37245 88827,115781 1,362;88826,88941;90163,90336;92409,92570;1
15725,116450

37245 88827,115781 1,362;88826,88941;90163,90336;92409,92570;1
15725,116452

37246 109,115781 1,362;88826,88941;90163,90336;92409,92570;115

725,116450
37246 88827,115781 1,362;88826,88941;90163,90336;92409,92570;1
15725,116450
37246 88827,115781 1,362;88826,88941;90163,90336;92409,92570;1
15725,116452
37247 190271,367594 1,189;190248,190307;300731,300923;328662,3
28818;350511,350664;361669,361745;362304,362369;367441,369560
37247 190271,367594 1,189;190249,190307;300731,300923;328662,3
28818;350511,350664;361669,361745;362304,362369;367441,369560
37247 186,367594 1,189;300731,300923;328662,328818;350511,3506
64;361669,361745;362304,362369;367441,369560
37247 190271,367594 189467,190307;300731,300923;328662,328818;
350511,350664;361669,361745;362304,362369;367441,369560
37248 190271,367594 1,189;190248,190307;300731,300923;328662,3
28818;350511,350664;361669,361745;362304,362369;367441,369560
37248 190271,367594 1,189;190249,190307;300731,300923;328662,3
28818;350511,350664;361669,361745;362304,362369;367441,369560
37248 186,367594 1,189;300731,300923;328662,328818;350511,3506
64;361669,361745;362304,362369;367441,369560
37248 190271,367594 189467,190307;300731,300923;328662,328818;
350511,350664;361669,361745;362304,362369;367441,369560
37249 6,28942 1,206;2752,2837;7761,7875;13215,13319;15841,1596
7;20876,21024;26778,26840;28370,28541;28820,29440
37249 193,21160 16,206;7761,7875;13215,13319;15841,15967;20876
,21160
37250 23370,56652 1,249;23367,23425;24020,24164;27856,28005;30
689,30775;31328,31453;31547,31667;37609,37685;39682,39771;43557,43743;49411,4948
4;49743,49829;56589,57061
37250 4484,56652 1,249;4483,4582;23367,23425;24020,24164;27856
,28005;30689,30775;31328,31453;31547,31667;37609,37685;39682,39771;43557,43743;4
9411,49484;49743,49829;56589,57061
37250 30728,56652 54,249;4483,4582;23367,23425;24020,24164;278
56,28005;30689,30775;31328,31453;31547,31667;37609,37685;39682,39771;43557,43743
;49411,49484;49743,49829;56589,57054
37251 1,110229 1,101;67083,67210;83537,83654;86190,86340;88322
,88481;89203,89442;91292,91552;104315,104428;108570,108707;110023,110553
37251 85,110229 5,101;67083,67210;83537,83654;86190,86340;8832
2,88481;89203,89442;91292,91552;104315,104428;108570,108707;110023,110553
37252 1,110229 1,101;67083,67210;83537,83654;86190,86340;88322
,88481;89203,89442;91292,91552;104315,104428;108570,108707;110023,110553
37252 85,110229 5,101;67083,67210;83537,83654;86190,86340;8832
2,88481;89203,89442;91292,91552;104315,104428;108570,108707;110023,110553
37253 18,3675 1,53;2970,3021;3498,3586;3660,4175
37253 18,3675 1,53;2970,3021;3498,3586;3660,4176
37254 685,1108 1,159;676,1349
37255 172767,234692 1,215;20335,20457;29498,29583;30904,30978;
56212,56323;63540,63625;64784,64928;79061,79122;79225,79269;80470,80543;80658,80
721;83523,83621;85764,85886;94152,94233;116922,117028;158488,158650;172672,17282
8;201670,201745;216591,216725;218035,218132;219675,219857;225387,225494;226372,2
26461;227417,227543;230425,230541;231168,231291;232715,232805;234589,234783

37255 172767, 234692 125638, 126248; 158488, 158650; 172672, 172828;
 201670, 201745; 216591, 216725; 218035, 218132; 219675, 219857; 225387, 225494; 226372, 226
 461; 227417, 227543; 230425, 230541; 231168, 231291; 232715, 232805; 234589, 235821
 37255 20337, 234692 44, 215; 20335, 20457; 29498, 29583; 30904, 30978;
 56212, 56323; 63540, 63625; 64784, 64928; 79061, 79122; 79225, 79269; 80470, 80543; 80658, 80
 721; 83523, 83621; 85764, 85886; 94152, 94233; 116922, 117028; 158488, 158650; 172672, 17282
 8; 201670, 201745; 216591, 216725; 218035, 218096; 219708, 219857; 225387, 225494; 226372, 2
 26461; 227417, 227543; 230425, 230541; 231168, 231291; 232715, 232805; 234589, 235821
 37255 20337, 234692 44, 215; 20335, 20457; 29498, 29583; 30904, 30978;
 56212, 56323; 63540, 63625; 64784, 64928; 79061, 79122; 79225, 79269; 80470, 80543; 80658, 80
 721; 83523, 83621; 85764, 85886; 94152, 94233; 116922, 117028; 158488, 158650; 172672, 17282
 8; 201670, 201745; 216591, 216725; 218035, 218132; 219675, 219857; 225387, 225494; 226372, 2
 26461; 227417, 227543; 230425, 230541; 231168, 231291; 232715, 232805; 234589, 235821
 37256 566, 162898 1, 632; 90253, 90330; 93273, 93311; 94789, 94851; 119
 761, 119911; 159969, 160099; 162767, 162997
 37256 566, 165058 1, 632; 90253, 90330; 93273, 93311; 94789, 94851; 119
 761, 119911; 159969, 160099; 164975, 165058
 37256 566, 174424 1, 632; 90253, 90330; 93273, 93311; 94789, 94851; 119
 761, 119911; 159969, 160099; 174362, 174431; 177419, 177624; 181732, 181835; 186112, 186231
 37256 566, 174424 1, 632; 90253, 90330; 93273, 93311; 94789, 94851; 119
 761, 119911; 174281, 174282; 174362, 174431; 181732, 181835; 186112, 186231
 37257 566, 162898 1, 632; 90253, 90330; 93273, 93311; 94789, 94851; 119
 761, 119911; 159969, 160099; 162767, 162997
 37257 566, 165058 1, 632; 90253, 90330; 93273, 93311; 94789, 94851; 119
 761, 119911; 159969, 160099; 164975, 165058
 37257 566, 174424 1, 632; 90253, 90330; 93273, 93311; 94789, 94851; 119
 761, 119911; 159969, 160099; 174362, 174431; 177419, 177624; 181732, 181835; 186112, 186231
 37257 566, 174424 1, 632; 90253, 90330; 93273, 93311; 94789, 94851; 119
 761, 119911; 174281, 174282; 174362, 174431; 181732, 181835; 186112, 186231
 37258 1021, 3006 1021, 1194; 1426, 1530; 2549, 2644; 2889, 3015; 3191, 3
 311
 37258 1021, 3006 13, 52; 1001, 1194; 1426, 1530; 2549, 2644; 2889, 3015;
 3191, 3300
 37258 1021, 3006 1, 52; 1001, 1194; 1426, 1530; 2549, 2644; 2889, 3015; 3
 191, 3311
 37259 105, 19371 105, 168; 1079, 1438; 16000, 16129; 16851, 16903; 1755
 9, 17590; 19251, 19373
 37259 105, 19371 105, 168; 1079, 1438; 6277, 6555; 6958, 7212; 16000, 16
 129; 16851, 16903; 17559, 17590; 19251, 19378
 37259 105, 19371 1, 168; 1079, 1438; 6277, 6555; 6958, 7212; 9244, 9531;
 16000, 16129; 16851, 16903; 17559, 17590; 19251, 21164
 37259 105, 19371 13, 168; 1079, 1438; 6277, 6555; 6958, 7212; 13376, 134
 68; 16000, 16129; 16851, 16903; 17559, 17590; 19251, 19372
 37259 105, 19371 33, 168; 1079, 1438; 6277, 6555; 6958, 7212; 9244, 9531
 ; 16000, 16129; 16851, 16903; 17559, 17590; 19251, 21172
 37259 105, 17595 41, 168; 1079, 1438; 6277, 6555; 6958, 7212; 9244, 9531
 ; 16000, 16129; 17564, 17594
 37259 7131, 16128 7131, 7212; 11614, 11706; 16000, 16127
 37260 309, 27654 1, 387; 9604, 9716; 24769, 24917; 25175, 25339; 26795,
 28682

37260	342,27654	19,387;9604,9716;24769,24917;25175,25339;26795,28674
37261	0,28048	1,15;15458,15533;16999,17151;18234,18336;19421,19460;22249,22353;27199,27298;27912,29263
37261	13054,28048	12624,13072;15458,15533;16999,17151;18234,18336;19421,19460;22249,22353;27199,27298;27912,29263
37261	15496,28048	14057,14184;15458,15533;16999,17151;18234,18336;19421,19460;27199,27298;27912,29260
37261	15496,28048	14111,14184;15458,15533;16999,17151;18234,18336;19421,19460;22249,22353;27199,27298;27912,29263
37262	1687,10506	1,2150;4581,5108;10226,10736
37262	1687,10506	1,2150;4581,5108;10226,10742
37263	6677,11335	1,1185;5984,6228;6555,6837;7194,7314;7489,7702;7924,8070;9845,9929;10289,10477;10781,10868;11035,11190;11269,11825
37263	6677,11335	6257,6837;7194,7314;7489,7702;7924,8070;9845,9929;10289,10477;10781,10868;11035,11190;11269,11829
37263	7528,11335	6257,6837;7489,7702;7924,8070;9845,9929;10289,10477;10781,10868;11035,11190;11269,11828
37263	7528,11335	6257,6837;7489,7702;7924,8070;9845,9929;10289,10477;10781,10868;11035,11190;11269,11829
37264	26,11685	1,101;4600,4708;5790,5929;6400,6521;6904,6973;7565,7669;8494,8556;8775,8845;9165,9271;9686,9742;10605,10699;11370,11440;11535,12966
37264	6402,11685	1,101;4600,4708;5790,5929;6400,6521;6904,6973;7565,7669;8494,8556;8775,8845;9165,9271;9686,9742;10605,10699;11370,11440;11535,12966
37265	506,68750	1,688;43944,44020;49978,50116;50446,50604;5665,56804;68744,69841
37265	605,68750	450,688;43944,44020;49978,50116;50446,50604;5665,56804;68744,69955
37266	463,113317	1,627;1848,1931;33753,33837;35998,36122;37559,37760;49173,49243;67975,68069;72575,72670;74315,74437;90597,90735;93354,93413;95522,95668;98501,98587;99377,99455;100469,100614;101685,101810;103389,103409;104628,104721;106249,106338;109226,109325;111809,111863;113176,115791
37266	463,113317	1,627;1848,1931;33753,33837;35998,36122;37559,37760;49173,49243;67975,68069;72575,72670;74315,74437;90597,90735;93354,93413;95522,95668;98501,98587;99377,99455;100469,100614;101685,101810;104610,104721;106249,106338;109226,109325;111809,111863;113176,115790
37267	166,78041	1,228;4748,4904;60857,61038;77981,84648
37267	166,62730	166,228;4748,4904;60857,61038;62544,62729
37268	166,78041	1,228;4748,4904;60857,61038;77981,84648
37268	166,62730	166,228;4748,4904;60857,61038;62544,62729
37269	166,78041	1,228;4748,4904;60857,61038;77981,84648
37269	166,62730	166,228;4748,4904;60857,61038;62544,62729
37270	251,32613	1,424;5022,5175;7534,7689;11965,12122;13934,13983;14860,15021;22272,22357;26247,26336;28790,28883;31518,31679;32276,33260
37271	87,1053	11,897
37271	87,1053	871,052
37272	202,7689	1,205;3037,3067;4231,4374;6670,6678;6834,6940;7351,7486;7661,7779;8064,11023

37272	202,7689	1,205;3037,3067;4231,4374;6834,6940;7351,7486;7661,7779;8064,11023
37272	202,7689	5,205;3037,3067;4231,4374;6834,6940;7351,7486;7661,7765;8050,11023
37273	106073,290207	1,417;106042,106205;170290,170400;211481,211689;229911,229988;244531,244715;247701,247825;248638,248853;252389,252492;255992,256076;261723,261812;264065,264151;266483,266515;268765,268886;270927,271016;275997,276183;280362,280616;286137,286251;290020,292446
37273	169212,290207	169035,169239;170290,170400;211481,211689;229911,229988;244531,244715;247701,247825;248638,248853;252389,252492;255992,256076;261723,261812;264065,264151;266483,266515;268765,268886;270927,271016;275997,276183;280362,280616;286137,286251;290020,292446
37274	337,82670	1,455;54128,54170;54267,54408;64402,64559;68881,69009;76146,76275;77893,78046;82480,84580
37274	337,82670	1,455;54128,54170;54267,54408;64402,64559;68881,69009;76146,76275;77893,78046;82480,84586
37275	86,11847	1,98;11836,12162;14437,14704;16586,16693;28417,29683
37275	86,28424	1,98;2817,2891;7776,7857;11836,12162;14432,14704;16586,16693;28417,29683
37275	86,28424	1,98;7776,7857;11836,12162;14432,14704;16586,16693;28417,29683
37275	86,28424	48,98;7776,7857;11836,12162;14432,14704;16586,16693;28417,29683
37276	86,11847	1,98;11836,12162;14437,14704;16586,16693;28417,29683
37276	86,28424	1,98;2817,2891;7776,7857;11836,12162;14432,14704;16586,16693;28417,29683
37276	86,28424	1,98;7776,7857;11836,12162;14432,14704;16586,16693;28417,29683
37276	86,28424	48,98;7776,7857;11836,12162;14432,14704;16586,16693;28417,29683
37277	80,22569	1,156;806,1036;6758,6919;7004,7209;10553,10978;12336,12490;12650,12735;14732,14931;15077,15329;18908,19101;20243,20327;20916,21078;21745,21931;22276,22619;206303,206368
37277	27344,60234	27129,27482;55137,55295;56004,56115;56492,56610;60169,60379;61879,61996;65668,65905;70871,70947
37277	27344,60234	27129,27482;55137,55295;56004,56115;56492,56610;60169,60379;61879,61996;65668,70947
37277	27344,65840	27149,27482;55137,55295;56004,56115;56492,56610;60169,60192;60197,60379;61879,61996;65668,65905;70871,70933
37277	27344,65840	27273,27482;55137,55295;56004,56115;56492,56610;60169,60192;60197,60379;61879,61996;65668,66106
37278	719,8425	1,51;698,1313;8126,8585
37278	740,8425	24,1313;8126,8585
37279	35,16754	1,90;867,1001;4953,5134;6459,6576;13118,13261;14098,14220;15250,15404;16118,16228;16607,17001
37279	35,16777	1,90;867,1001;4953,5134;6459,6576;13118,13261;14098,14220;15250,15404;16118,16228;16607,17001
37280	62,30069	1,113;4146,4350;6822,6966;9434,9567;11596,11749

;12638,12745;13478,13582;16155,16193;20074,20214;22107,22190;22453,22600;26653,26784;29516,29588;29885,30263

37280 62,30069 36,113;4146,4350;6822,6966;9434,9567;11596,11749;12638,12745;13478,13582;16155,16193;20074,20214;22110,22190;22453,22600;26653,26784;29516,29588;29885,30263

37281 69,33210 1,161;10332,10483;12057,12141;21166,21233;26941,27204;28851,28981;30917,31028;33020,33746

37281 69,21218 12,161;10332,10483;12057,12141;20613,20800;21166,23390

37281 69,33210 12,161;10332,10483;12057,12141;21166,21233;26941,27204;28851,28981;30917,31028;33020,33746

37281 69,33210 18,161;10332,10483;12057,12141;20613,20800;28851,28981;30917,31028;33020,33746

37282 99,69534 1,228;5600,5666;8954,9038;12333,12434;15180,15306;17032,17142;39314,39427;44795,44859;47617,47716;47825,47920;53677,53749;56493,56578;58885,58951;61771,61927;62743,62857;65343,65428;69417,70072

37282 99,69534 1,228;5600,5666;8954,9038;12333,12434;15180,15307;17030,17142;39314,39427;44795,44859;47617,47716;47825,47920;53677,53749;56493,56569;58885,58951;61771,61927;62743,62857;65343,65428;69417,70072

37282 99,69534 27,228;5600,5666;8954,9038;12333,12434;15180,15306;17032,17142;44795,44859;47617,47716;47825,47920;53677,53749;56493,56578;5885,58951;61771,61927;62743,62857;65343,65428;69417,70072

37283 99,69534 1,228;5600,5666;8954,9038;12333,12434;15180,15306;17032,17142;39314,39427;44795,44859;47617,47716;47825,47920;53677,53749;56493,56578;58885,58951;61771,61927;62743,62857;65343,65428;69417,70072

37283 99,69534 1,228;5600,5666;8954,9038;12333,12434;15180,15307;17030,17142;39314,39427;44795,44859;47617,47716;47825,47920;53677,53749;56493,56569;58885,58951;61771,61927;62743,62857;65343,65428;69417,70072

37283 99,69534 27,228;5600,5666;8954,9038;12333,12434;15180,15306;17032,17142;44795,44859;47617,47716;47825,47920;53677,53749;56493,56578;5885,58951;61771,61927;62743,62857;65343,65428;69417,70072

37284 61,10185 1,240;6312,6521;7546,7629;10092,10950

37284 61,10185 3,240;6312,6521;7546,7629;10092,10950

37285 102,6908 1,197;1157,1241;2265,2351;5695,5839;6727,8904

37285 1337,6908 1338,1490;2265,2351;5695,5839;6727,6908

37286 35774,179442 1,125;35335,37769;61108,61374;75135,75238;83535,83637;104754,104828;112643,112729;116541,116697;122159,122207;124854,124943;136283,136458;137534,137652;140492,140598;179319,182167

37286 57345,179442 57016,57477;61108,61374;75135,75238;83535,83637;104754,104828;112643,112729;116541,116697;122159,122207;124854,124943;136283,136458;137534,137652;140492,140598;179319,182167

37287 38,23490 1,353;23284,23590;26250,26739

37287 20,23490 1,353;23284,23590;26250,26740

37287 38,23490 1,353;23284,23590;26250,26740

37287 19665,26264 19453,19814;23284,23590;26250,26739

37287 19665,26264 19453,19814;23284,23590;26250,26740

37287 19665,20016 19453,20088;23284,23590;26250,26739

37287 19665,20016 19665,20088;23284,23590;26250,26312

37288 3044,4598 1,103;3036,5954

37289 3044,4598 1,103;3036,5954

37290 1308,5406 1035,1080;1271,1386;1512,1564;1665,1807;1982,2
069;2180,2285;2393,2587;3842,4015;4311,4392;4692,4840;5140,5789
37290 1263,5406 1,1386;1512,1564;1665,1807;1982,2069;2180,2285
;2393,2587;3842,4015;4311,4392;4692,4840;5140,5788
37290 1308,5406 38,53;1271,1386;1512,1564;1665,1807;1982,2069;
2180,2285;2393,2587;3842,4015;4311,4392;4692,4840;5140,5788
37291 307,63486 1,375;28749,28793;29692,29781;29899,29928;3002
4,30076;34032,34127;34649,34734;37550,37636;39482,39651;39745,39789;43679,43810;
50009,50137;51408,51512;55718,55789;57320,57482;60537,60631;63387,65413
37291 307,63486 1,375;28749,28793;29692,29781;29899,29928;3002
4,30076;34032,34127;34649,34734;37550,37636;39482,39651;39745,39789;43679,43810;
50009,50137;51408,51512;55718,55789;57320,57482;60537,60631;63387,65415
37292 260,26977 1,485;17902,18042;26798,30223
37292 260,26977 1,485;17902,18042;26798,30224
37293 260,26977 1,485;17902,18042;26798,30223
37293 260,26977 1,485;17902,18042;26798,30224
37294 0,768043 1,451;623914,624411;629474,629815;767706,768043
37294 750868,788227 750683,750916;752429,752483;752586,752680;
754774,754812;755134,755274;757905,758064;759041,759132;759640,759773;760674,760
753;761784,761833;762715,762788;766333,766458;772862,773014;775119,775182;777671
,777732;778663,778798;780934,781024;787968,788265;788348,788459
37294 750868,788227 750761,750916;752429,752483;752583,752680;
754774,754812;755134,755274;757905,758064;759041,759132;759640,759773;760674,760
753;761784,761833;762715,762788;766333,766458;772862,773014;775119,775182;777671
,777732;778663,778798;780934,781024;787968,788459
37294 750868,788227 750865,750916;752429,752483;752586,752680;
754774,754812;755134,755274;757905,758064;759041,759132;759640,759773;760674,760
753;761784,761833;762715,762788;766333,766458;775119,775182;777671,777732;778663
,778798;780934,781024;787968,788459
37295 217,22842 1,422;4721,4848;4948,5027;6745,7000;7506,7637;
8982,9189;9323,9516;9873,9961;10077,10204;10353,10448;10622,10683;10831,11000;11
467,11616;12262,12377;12929,13121;13204,13284;13377,13456;13569,13643;13776,1387
8;14582,14758;14924,15055;18942,19055;19599,19697;19803,19928;22611,23324
37295 217,22842 1,422;4721,4848;4948,5027;6745,7000;7910,8029;
8982,9189;9323,9516;9873,9961;10077,10204;10353,10448;10622,10683;10831,11000;11
467,11616;12262,12377;12929,13121;13204,13284;13377,13456;13569,13643;13776,1387
8;14582,14758;14924,15055;18942,19055;19599,19697;19803,19928;22611,23324
37295 217,22672 217,422;4721,4848;4948,5027;6745,7000;7506,763
7;7910,8029;8982,9189;9323,9516;9873,9961;10077,10204;10353,10448;10622,10683;10
831,11000;11467,11616;12262,12377;12929,13121;13204,13284;13377,13456;13569,1364
3;13776,13878;14582,14758;14924,15055;18942,19055;19599,19697;19803,19928;21585,
21697;22611,23327
37295 217,22842 217,422;4721,4848;4948,5027;6745,7000;7910,802
9;8982,9189;9323,9516;9873,9961;10077,10204;10353,10448;10622,10683;10831,10943;
13204,13284;13377,13456;13569,13643;13776,13878;14582,14758;14924,15055;18942,19
055;19599,19697;19803,19928;22611,23327
37295 217,22842 56,422;4721,4848;4948,5027;6745,7000;7910,8029
;8982,9189;9323,9516;9873,9961;10077,10204;10353,10448;10622,10683;10831,11000;1
1467,11616;12262,12377;12929,13121;13204,13284;13377,13456;13569,13643;13776,138
78;14582,14758;14924,15055;18942,19055;19599,19697;19803,19928;22611,23327

37296	568,2879	1,119;478,695;1144,1181;2376,3198
37297	113127,113672	113128,113176;113380,113672
37297	0,471	1,46;176,471
37297	176212,176790	176213,176264;176453,176790
37297	268504,269022	268505,268556;268721,269022
37297	528796,656867	528714,528842;528995,529132;653707,653979;
		655842,655886;656761,656868;657810,658350
37297	569218,570568	528797,528842;528995,529292;555358,555379;
		556334,556391;569184,569462;570026,570091;570456,570574
37297	95991,109167	95992,96040;108884,109167
37298	113127,113672	113128,113176;113380,113672
37298	0,471	1,46;176,471
37298	176212,176790	176213,176264;176453,176790
37298	268504,269022	268505,268556;268721,269022
37298	528796,656867	528714,528842;528995,529132;653707,653979;
		655842,655886;656761,656868;657810,658350
37298	569218,570568	528797,528842;528995,529292;555358,555379;
		556334,556391;569184,569462;570026,570091;570456,570574
37298	95991,109167	95992,96040;108884,109167
37299	238,20156	1,441;15818,16040;17168,17360;17752,17893;2002
		7,22074
37299	238,20156	1,441;8247,8849;15818,16040;17168,17360;17752,
		17893;20027,22074
37299	238,20156	228,441;8247,8849;15818,16040;17168,17360;1775
		2,17893;20027,22777
37300	175,378816	1,348;1375,1406;152508,152590;196136,196247;1
		99419,199547;256791,256947;258163,258297;276973,277069;287835,287981;318684,3188
		57;336270,336361;338518,338580;344790,344928;349111,349191;349460,349567;355090,
		355230;378658,380002
37300	175,384113	1,348;1375,1406;152508,152590;196136,196247;1
		99419,199547;256791,256947;258163,258297;276973,277069;287835,287981;318684,3188
		57;336270,336361;338518,338580;344790,344928;349111,349191;349460,349567;355090,
		355230;383961,384241
37300	175,378816	24,348;1375,1406;152508,152590;196136,196247;
		199419,199547;256791,256947;258163,258297;276973,277069;287835,287981;318684,318
		857;336270,336361;338518,338580;344790,344928;349111,349191;349460,349567;355090
		,355230;378658,379639
37301	93,11771	1,153;4218,4335;6375,6461;11755,14939
37301	93,6466	1,153;4218,4335;6375,8035
37302	68,7180	1,151;2219,2298;3833,3855;4251,4307;6788,6858;70
		57,7595
37303	334,9138	119,439;5878,5918;9021,9614
37303	334,9138	1,439;3142,3234;5033,5163;5844,5918;9021,9614
37303	334,9138	1,439;3142,3234;5033,5163;9021,9614
37304	212,36142	1,381;19031,19193;21662,21754;29461,29601;3257
		0,32707;33946,34065;35950,36381
37305	14181,28021	1,116;10510,10609;14002,14264;16335,16502;17
		350,17466;18739,18816;19269,19391;22151,22260;22532,22697;26103,26185;27978,2824
		2
37305	14181,28021	1,116;14002,14264;16335,16502;17350,17466;18

739,18816;19269,19391;22151,22260;22532,22697;26103,26185;27978,28242
 37305 14181,28021 14001,14264;16335,16502;17350,17466;18739,18
 816;19269,19391;22151,22260;22532,22697;26103,26185;27978,28242
 37306 29,407760 1,74;105985,106062;121709,122336;140000,140143
 ;169631,169710;175689,175832;184677,184796;229830,229954;407607,410277
 37306 407607,407760 207101,207329;229830,229954;407607,410302
 37306 409511,409932 24,74;105985,106062;121709,122336;140000,1
 40143;169631,169710;175689,175832;184677,184796;229830,229954;407607,409655;4096
 60,410298
 37307 33,104307 1,296;26682,26828;28462,28629;28768,28851;7286
 5,73044;73344,73446;77362,77528;78589,78780;80771,80830;85682,85824;103504,10367
 2;104142,104603
 37307 26622,104307 26394,26828;28462,28629;28768,28851;72865,7
 3044;73344,73446;77362,77528;78589,78780;80771,80830;85682,85824;103504,103672;1
 04142,105390
 37308 35,4583 1,807;4561,4666;5063,5123;5274,5369;6168,6308;72
 39,7396;7519,7639;7904,7999;14422,14552;15476,16524
 37308 7248,15577 1,807;4561,4666;5063,5123;5274,5369;6168,6308
 ;7239,7396;7519,7639;7907,7999;14422,14552;15476,15521;15526,15576
 37308 35,15582 1,807;5063,5123;5274,5369;6168,6308;7239,7396;7
 519,7639;7907,7999;14422,14552;15476,16524
 37308 35,4583 35,807;4561,4666;5063,5123;5274,5369;6168,6308;6
 580,6588;7239,7396;7519,7639;7904,7999;14422,14552;15476,17103;17442,17689
 37308 7248,15582 6891,7396;7519,7639;7907,7999;14422,14552;154
 76,16524
 37309 1284,26718 1,117;1271,1463;5305,5399;5555,5690;15310,153
 75;25262,25414;26586,27769;27776,28640
 37309 1284,26718 1,117;1271,1463;5305,5399;5555,5690;15310,153
 75;25262,25414;26586,28640
 37310 60,10554 1,133;4324,4502;6317,6431;8117,8256;9702,9770;1
 0477,12424
 37311 254,21961 1,605;9429,9592;9892,10021;15452,15559;17660,1
 7831;20071,20224;21802,23048
 37312 57589,75472 1,35;57548,57682;63663,63714;63851,63926;644
 32,64602;64688,64783;64864,64994;66560,66668;66747,66855;66949,67043;67197,67318
 ;67759,67763;68622,68714;68822,68910;68986,69070;69153,69244;70080,70190;70274,7
 0375;72092,72230;72422,74428;74696,75119;75375,76838
 37312 2455,14043 2447,2506;2592,2705;7035,7162;9469,9615;10582
 ,10703;10797,10975;13876,14122
 37312 2455,14043 2447,2506;2592,2705;7035,7162;9469,9615;10582
 ,10703;10797,10975;13876,14124
 37313 3585,119536 1,80;3551,3678;32959,33071;36012,36105;74239
 ,74381;75838,75931;95045,95112;101435,101603;106963,107172;114120,114284;116341,
 116430;119405,120517
 37313 3585,119536 1,80;3551,3678;32959,33071;36012,36105;74239
 ,74381;75838,75931;95045,95112;101435,101603;106963,107172;114120,114284;116341,
 116430;119405,120520
 37314 65,94813 1,158;4781,4866;11318,11388;37770,37848;44878,4
 4954;55730,55922;56873,56938;62256,62327;66294,66460;68621,68705;69953,70092;727
 81,72958;76099,76188;78672,78867;80966,81074;82584,82788;83849,83926;84038,84146

;85307,85451;86575,86659;87272,87496;93818,93970;94759,98456
37314 65,94136 20,162;4782,4866;11318,11388;37770,37848;44878,
44954;55730,55922;56873,56938;62256,62327;66294,66460;68621,68705;69953,70092;72
781,72958;76099,76188;78672,78867;80966,81074;82584,82788;83849,83926;84038,8414
6;85307,85451;86575,86659;87272,87496;93818,94534
37314 65,94813 29,158;4781,4866;11318,11388;37770,37848;44878,
44954;55730,55922;56873,56938;62256,62327;66294,66460;68621,68705;69953,70092;72
781,72958;76099,76188;78672,78867;80966,81074;82584,82788;83849,83926;84038,8414
6;85307,85451;86575,86659;87272,87496;93818,93970;94759,95314
37315 3306,11435 1,155;3115,3391;3652,3999;5414,5695;7276,7476
;7637,7657;7749,7775;8852,8878;9298,9324;10912,12950
37315 3306,10488 3307,3391;3652,3999;5414,5695;7276,7476;7637,
7657;7749,7775;8852,8878;9298,9324;10448,10488
37315 3306,10488 97,155;3285,3391;3652,3999;5414,5695;7276,747
6;7637,7657;7749,7775;8852,8878;9298,9324;10448,10500
37315 3312,11435 97,155;3285,3391;3652,3999;5414,5695;7276,747
6;7749,7775;9298,9324;10912,11435
37316 57,300 12,093
37316 57,300 57,299
37317 76,594 1,175;274,397;512,595;1425,2157
37317 76,1441 21,175;274,397;512,595;1425,2157
37318 405,26131 1,470;718,1068;11062,11119;12836,13087;13203,1
3263;16534,16664;16768,16887;17086,17199;17429,17542;17721,17834;17914,17960;180
48,18221;19505,19655;19736,19888;19967,20080;20386,20499;20596,20709;20937,21053
;21298,21325;21414,21499;22101,22214;22325,22440;22852,23094;23764,23895;25187,2
5343;25655,27086
37318 405,26131 1,470;718,1068;11062,11119;12836,13087;13203,1
3263;16534,16664;16768,16887;17086,17199;17429,17542;17914,17960;18048,18221;195
05,19655;19736,19888;19967,20080;20386,20499;20596,20709;20937,21053;21298,21325
;21414,21499;22101,22214;22325,22440;22852,23094;23764,23895;25187,25343;25655,2
7086
37319 4268,62455 1,310;4235,4275;5353,5464;6073,6209;10937,111
26;12538,12658;15193,15333;20380,20433;22085,22111;25685,25738;32973,33026;35923
,36030;42911,43006;48645,48799;55748,55919;57650,57800;62409,62950
37319 4268,62455 1,310;4236,4275;5353,5464;6073,6209;10937,111
26;12538,12658;15193,15333;20380,20433;22085,22111;25685,25738;32973,33026;35923
,36030;42911,43006;48645,48799;55748,55919;57650,57800;62409,62950
37319 4268,62455 40,310;4236,4275;5353,5464;6073,6209;10937,11
126;12538,12658;15193,15333;20380,20433;22085,22111;25685,25738;32973,33026;3592
3,36030;42911,43006;48645,48799;55748,55919;57650,57800;62409,62949
37320 6863,7136 1,158;6784,8591
37321 897,5228 1,207;885,984;2737,2917;3871,4111;4297,4333;447
7,4610;5075,5757
37321 897,5228 1,207;885,984;2737,2917;3871,4145;4477,4610;507
5,5757
37321 897,5228 263,401;888,984;2737,2917;3871,4111;4297,4333;4
477,4610;5075,5757
37321 897,5228 329,401;888,984;2737,2917;3871,4145;4477,4610;5
075,5757
37322 1120,5786 1,516;1095,1207;1371,1486;4923,5126;5283,5379;

5742,5904
 37323 1120,5786 1,516;1095,1207;1371,1486;4923,5126;5283,5379;
 5742,5904
 37324 43,424 1,432;8160,8547
 37324 43,424 43,423
 37325 238,7197 1,242;6494,8333
 37325 238,7197 1,242;6494,8338
 37325 2708,7197 2247,3273;6494,8338
 37325 2708,7197 2277,3273;6494,8338
 37325 6564,7197 528,851;6494,8333
 37325 6564,7197 528,851;6494,8338
 37325 1414,7197 543,1550;6494,8333
 37325 1414,7197 543,1550;6494,8338
 37326 335,114495 1,377;493,807;78206,78259;88840,89169;114331,
 114494
 37326 37026,37502 35657,37071;37182,37925
 37326 37473,114495 37196,37505;80877,80931;88840,89169;114331,
 114494
 37326 88852,89029 80871,80931;88840,89169;92300,92347;94288,94
 875
 37326 89025,94431 80871,80931;88840,89169;92300,92347;94288,94
 875
 37326 88839,114495 88839,89169;105180,105275;114352,114923
 37327 79,39838 1,428;8179,8341;34262,34433;37889,38074;39782,4
 0305
 37327 79,39838 5,428;8179,8341;15137,15298;15510,15578;20811,2
 0894;34262,34433;37889,38074;39782,40137;40144,40305
 37327 79,39838 5,428;8179,8341;15137,15298;15510,15578;20811,2
 0894;34262,34433;37889,38074;39782,40273
 37328 13649,32066 13650,13742;19031,19035;21449,21729;21826,21
 948;22035,22157;22932,23051;23155,23280;23772,23943;24532,24750;25672,25790;2640
 6,26545;26867,27008;28568,28714;29613,29696;30072,30152;30978,31147;32031,32676
 37328 387,32066 1,469;13651,13770;18057,18179;19575,19697;2135
 8,21729;21826,21948;22035,22157;22932,23051;23155,23280;23772,23943;24532,24750;
 25672,25790;26406,26545;26867,27008;28568,28714;29613,29696;30072,30152;30978,31
 147;32031,32676
 37328 387,32066 20,469;13651,13770;18057,18179;19575,19697;213
 58,21729;21826,21948;22035,22157;22932,23051;23155,23280;23772,23943;24532,24750
 ;25672,25790;26406,26545;26867,27008;28568,28714;29613,29696;30072,30152;30978,3
 1147;32031,32676
 37328 387,32066 387,469;13651,13770;18057,18179;19575,19697;21
 358,21729;21826,21948;22035,22157;22932,23051;23155,23280;23772,23943;24532,2475
 0;25672,25790;26406,26545;26867,27008;28568,28714;30072,30152;30978,31147;32031,
 32683
 37329 181,80171 1,280;62552,62711;63574,63670;68538,68680;7553
 0,75627;78269,78317;80032,80446
 37329 181,80171 1,280;62552,62711;63574,63670;68538,68680;7553
 0,75627;78269,78317;80032,80448
 37330 41481,44110 1,333;41375,41621;42811,49193
 37331 158,5326 108,216;324,412;1119,1225;1308,1404;1853,1963;2

056, 2136; 2536, 2598; 3318, 3384; 3489, 3542; 3684, 3790; 3889, 3983; 4403, 4447; 4685, 4735; 4847, 4958; 5102, 5356; 8635, 8762

37331 158, 5326 1, 216; 324, 412; 1119, 1225; 1308, 1404; 1853, 1963; 2056, 2136; 2536, 2598; 3318, 3384; 3489, 3542; 3684, 3790; 3889, 3983; 4403, 4447; 4685, 4735; 4847, 4958; 5102, 5623

37332 131, 1935 1, 731; 1681, 2218

37332 131, 1935 40, 731; 1681, 2341

37333 107061, 107694 101023, 101117; 106707, 108591

37333 41, 895651 1, 416; 489, 592; 3698, 3855; 7159, 7327; 8636, 8854; 19313, 19527; 22572, 22680; 22848, 23051; 895606, 895651

37333 41, 165055 42, 416; 489, 592; 3698, 3855; 7159, 7327; 8636, 8759; 9628, 9743; 19313, 19527; 22572, 22680; 22848, 23051; 164965, 165055

37333 41, 513615 42, 416; 489, 592; 3698, 3855; 7159, 7327; 8636, 8759; 9628, 9743; 19313, 19527; 22572, 22680; 22848, 23051; 513576, 513615

37333 41, 647322 42, 416; 489, 592; 3698, 3855; 7159, 7327; 8636, 8759; 9628, 9743; 19313, 19527; 22572, 22680; 22848, 23051; 647310, 647322

37333 41, 821200 42, 416; 489, 592; 3698, 3855; 7159, 7327; 8636, 8759; 9628, 9743; 19313, 19527; 22572, 22680; 22848, 23051; 821191, 821200

37333 47, 641523 48, 416; 489, 592; 3698, 3855; 7159, 7327; 8636, 8800; 9663, 9743; 19313, 19527; 22572, 22680; 22848, 23051; 641484, 641523

37334 226, 8173 1, 268; 939, 971; 1110, 1172; 1367, 1471; 4244, 4292; 4688, 4800; 5287, 5394; 5540, 5607; 5707, 5761; 5889, 5975; 8093, 10353

37334 226, 8173 1, 268; 939, 971; 1110, 1172; 1367, 1471; 4244, 4292; 4688, 4800; 5326, 5394; 5540, 5607; 5707, 5761; 5889, 5975; 8093, 10353

37335 82, 98920 1, 199; 38445, 38612; 51776, 51952; 62614, 62711; 66268, 66414; 67224, 67348; 74144, 74302; 82853, 82939; 88476, 88649; 98745, 99176

37335 62628, 98920 62629, 62711; 67224, 67348; 68353, 68535; 74144, 74302; 88476, 88649; 98745, 98920

37335 82, 98920 7, 199; 38445, 38612; 51776, 51952; 62614, 62711; 66268, 66414; 67224, 67348; 74144, 74302; 82853, 82939; 88476, 88649; 98745, 99176

37335 38538, 98920 83, 199; 38445, 38612; 47625, 47700; 51776, 51952; 62614, 62711; 66268, 66414; 67224, 67348; 74144, 74302; 88476, 88649; 98745, 98920

37335 82, 98920 83, 199; 38445, 38612; 51776, 51952; 53757, 53774; 62614, 62711; 66268, 66414; 67224, 67348; 68353, 68535; 74144, 74302; 88476, 88649; 98745, 98920

37336 89, 263076 1, 151; 106314, 106442; 107216, 107348; 176846, 177100; 232806, 232992; 235256, 235371; 236407, 236516; 237154, 237290; 237898, 237980; 241433, 241569; 254968, 255125; 257914, 258058; 259363, 259456; 262780, 265840

37336 89, 263076 1, 151; 106314, 106442; 107216, 107348; 176846, 177100; 232806, 232992; 235256, 235371; 236407, 236516; 237154, 237290; 237898, 237980; 241433, 241569; 254968, 255125; 257914, 258058; 259363, 259456; 262780, 265847

37336 158374, 262805 158317, 158416; 176846, 177100; 232806, 232992; 235256, 235371; 236407, 236516; 237154, 237290; 237898, 237980; 241433, 241569; 254968, 255125; 262780, 264075

37336 89, 248752 62, 151; 106314, 106442; 107216, 107348; 176846, 177100; 232806, 232992; 235256, 235371; 236407, 236516; 237154, 237290; 237898, 237980; 241433, 241569; 248638, 250069

37337 432, 218159 1, 506; 126404, 126579; 175568, 175626; 180548, 180639; 190308, 190465; 193065, 193144; 206711, 206817; 208751, 208800; 208927, 209020; 212431, 212481; 215137, 215247; 216412, 216492; 218081, 218165; 219031, 219791

37337 126428, 218159 1, 506; 126404, 126579; 175568, 175626; 180548, 1

80639;190308,190465;193065,193144;206711,206826;208751,208800;208927,209020;2114
91,211538;212431,212481;215137,215247;216412,216492;218081,218165;219031,219791
37337 432,218159 1,506;126404,126579;175568,175626;180548,1806
39;190308,190465;193065,193144;206711,206826;208751,208800;208927,209020;212431,
212481;215137,215247;216412,216492;218081,218165;219031,219791
37337 126428,218159 1,506;61318,61427;126404,126579;175568,175
626;180548,180639;190308,190465;193065,193144;206711,206826;208751,208800;208927
,209020;211491,211538;212431,212481;215137,215247;216412,216492;218081,218165;21
9031,219791
37337 126428,218159 85186,85286;126404,126579;175568,175626;18
0548,180639;190308,190465;193065,193144;206711,206826;208751,208800;208927,20902
0;212431,212481;215137,215139;215145,215247;216412,216428;216433,216492;218081,2
18165;219031,219310
37338 879,2232 13,650
37339 132235,195484 1,100;74104,74157;132196,133186;153272,153
352;154406,154442;171426,171571;172629,172664;176841,176927;179950,180135;183730
,183909;184958,185170;186621,186740;192227,192367;195413,196663
37340 76,10353 1,308;2392,2471;2598,3229;3323,3446;4776,4980;5
751,5925;6118,6235;6319,6489;8862,9047;9402,9555;9727,9919;10020,10107;10318,106
91
37341 76,10353 1,308;2392,2471;2598,3229;3323,3446;4776,4980;5
751,5925;6118,6235;6319,6489;8862,9047;9402,9555;9727,9919;10020,10107;10318,106
91
37342 11,7967 10,92;713,739;830,981;1083,1231;2703,2794;3121,3
252;4096,4200;6950,6954;7208,7230;7918,9316
37342 86,8541 14,92;713,739;830,981;1083,1231;2703,2794;3121,3
252;4096,4200;4419,4631;6983,7063;7156,7230;7918,8572
37342 2,8541 1,92;713,739;830,981;1083,1231;2703,2794;3121,325
2;4096,4200;4419,4631;6983,7063;7156,7230;7918,8540
37343 373,98970 1,635;59210,59320;62516,62633;63980,64114;6825
7,68461;73710,73829;82892,82968;86617,86723;92166,92298;93407,93534;96943,97149;
98693,101893
37343 37,98970 1,635;59210,59320;62516,62633;63980,64114;68257
,68461;73710,73829;82892,82968;86617,86723;92166,92298;93407,93534;96943,97149;9
8693,101893
37344 380,86033 1,394;27545,27667;31587,31781;34464,34656;3583
3,35949;37219,37332;54213,54309;58920,58999;59126,59284;63343,63474;67744,67898;
69712,69779;70293,70444;83413,83525;85964,86065;87093,91181
37344 380,86033 1,394;27545,27667;31587,31781;34464,34656;3583
3,35949;37219,37332;54213,54309;58920,58999;59126,59284;63343,63474;67744,67898;
69712,69779;70293,70444;83413,83525;85964,86065;87094,91181
37345 380,86033 1,394;27545,27667;31587,31781;34464,34656;3583
3,35949;37219,37332;54213,54309;58920,58999;59126,59284;63343,63474;67744,67898;
69712,69779;70293,70444;83413,83525;85964,86065;87093,91181
37345 380,86033 1,394;27545,27667;31587,31781;34464,34656;3583
3,35949;37219,37332;54213,54309;58920,58999;59126,59284;63343,63474;67744,67898;
69712,69779;70293,70444;83413,83525;85964,86065;87094,91181
37346 556,365750 1,735;3413,3484;4609,4680;15551,15622;214493,
214564;227457,227528;232941,233012;235560,235740;238510,238640;257236,257307;257
807,257878;266123,266194;270501,270644;270755,270918;275690,275840;278725,278799

;280313,280456;286182,286325;288194,288360;289235,289367;292772,292840;295229,295300;295798,295869;297568,297639;300546,300709;314003,314127;314259,314356;315606,315745;336385,336478;342438,342575;343156,343396;345006,345136;356754,356908;363651,363939;364180,364391;365509,365861

37346 556,365750 353,735;3413,3484;4609,4680;15551,15622;21449
3,214564;227457,227528;232941,233012;235560,235723;238502,238640;257236,257307;257807,257878;266123,266194;270501,270644;270755,270918;271890,271913;275690,275840;278725,278799;280313,280456;286182,286325;288194,288360;289235,289367;292772,292840;295229,295300;295798,295869;297568,297639;300546,300709;314003,314127;314259,314356;315606,315745;336385,336478;342438,342575;343156,343396;345006,345136;356754,356908;363651,363939;364180,364391;365509,365906

37346 556,365750 353,735;3413,3484;4609,4680;15551,15622;21449
3,214564;227457,227528;232941,233012;235560,235723;238502,238640;257236,257307;257807,257878;266123,266194;270501,270644;270755,270922;271894,271913;275690,275840;278725,278799;280313,280456;286182,286325;288194,288360;289235,289367;292772,292840;295229,295300;295798,295869;297568,297639;300546,300709;314003,314127;314259,314356;315606,315745;336385,336478;342438,342575;343156,343396;345006,345136;356754,356908;363651,363939;364180,364391;365509,365906

37347 49,430 1,439;12855,13226

37347 49,430 1,523

37348 138,320 138,211;283,319

37348 138,3854 138,211;3832,3853

37348 138,411 138,410

37348 138,411 1,473;3832,3993;20072,20291

37349 3786,41815 1,59;3747,3876;5945,6022;7278,7388;13254,13422;13859,13954;15229,15274;15687,15799;20176,20228;21880,21971;24867,25038;27902,28100;29704,29981;30144,30316;32563,32752;33499,33553;33815,33989;34346,34418;35726,35921;36009,36097;37640,37693;38611,38692;39555,39772;40255,40360;41766,42165

37349 33915,49582 33915,33989;34346,34418;35726,35921;36009,36097;37640,37693;38611,38692;39555,39772;40255,40360;45164,45231;47420,47617;49544,50172

37349 35845,49148 35846,35921;36009,36097;37640,37693;38611,38692;39555,39772;40255,40360;45164,45231;47420,47617;48025,48075;48863,48946;48951,49509

37349 3786,48958 3743,3876;5945,6022;7278,7388;13254,13422;13859,13954;15229,15274;15687,15799;20176,20228;21880,21971;24867,25038;27902,28100;29704,29981;30144,30316;32563,32752;33499,33553;33815,33989;34346,34418;35726,35921;36009,36097;37640,37693;38611,38692;39555,39772;40255,40360;45164,45231;47420,47617;48863,49515

37349 3786,48958 3745,3876;5945,6022;7278,7388;13254,13422;13859,13954;15229,15274;15687,15799;20176,20228;21880,21965;24867,25038;27902,28100;29704,29981;30144,30316;32563,32752;33499,33553;33815,33989;34346,34418;35726,35921;36009,36097;37640,37693;38611,38692;39555,39772;40255,40360;45164,45231;47420,47617;48863,49515

37350 4188,10932 1,376;4164,4321;5785,5956;10662,11472

37351 117,12046 1,218;7393,7668;8053,8161;8253,8368;8453,8575;10155,10337;10439,10510;11890,12463

37352 10963,84526 10910,11007;21496,21619;52017,52114;52262,52404;61328,61516;80023,80179;84382,86085

37352	10963,84526	10910,11007;21496,21619;52017,52114;52262,52404;74579,74614;80023,80179;84382,86085
37352	10963,84526	10910,11007;21496,21619;52017,52114;52262,52404;80023,80179;84382,86085
37352	10963,84526	1,321;10910,11007;21496,21619;52017,52114;52262,52404;74579,74614;80023,80179;84382,86085
37352	21499,52457	1,321;21496,21619;52017,52114;52262,52974
37352	80036,84526	1,321;80023,80179;84382,86085
37352	80036,84931	1,321;80023,80179;84784,86085
37352	21499,84925	21500,21619;48981,49127;52017,52114;52262,52404;61328,61516;80023,80179;84784,84958
37352	40853,84931	40667,40931;52017,52114;52262,52404;61328,61516;80023,80179;84784,86085
37352	40853,84931	40667,40931;52017,52114;52262,52404;80023,80179;84784,86085
37352	48830,84931	48724,48833;52017,52114;52262,52404;61328,61516;80023,80179;84784,86085
37352	48830,84931	48724,48833;52017,52114;52262,52404;80023,80179;84784,86085
37352	10963,84931	588,695;10910,11007;21496,21619;52017,52114;52262,52404;61328,61516;80023,80179;84784,86085
37352	21499,84931	588,695;10910,11007;21496,21619;52017,52114;52262,52404;80023,80179;84784,86085
37352	21499,84931	588,695;21496,21619;52017,52114;52262,52404;80023,80179;84784,86085
37352	68317,84526	68255,68342;74579,74614;80023,80179;84382,86085
37352	68317,84931	68255,68342;74579,74614;80023,80179;84784,86085
37352	68317,84526	68255,68342;80023,80179;84382,86085
37352	68317,84931	68255,68342;80023,80179;84784,86085
37352	68317,84526	68318,68342;74579,74614;80023,80179;84382,86085
37352	69190,84526	69030,69227;80023,80179;84382,86085
37352	69190,84931	69030,69227;80023,80179;84784,86085
37352	74607,84526	69030,69270;74579,74614;80023,80179;84382,86085
37352	80036,84526	69030,69270;80023,80179;84382,86085
37352	80036,84931	69030,69270;80023,80179;84784,86085
37352	69190,84526	69191,69227;80023,80179;84382,86085
37353	113,14441	1,248;5896,6102;8564,8795;14053,14584
37354	10903,13833	1,121;10781,11079;12593,12715;13671,14350;14519,15598
37354	14222,14630	63,121;10781,11079;12593,12715;13671,15604
37354	10903,13833	8,121;10781,11079;12593,12715;13671,14350;14519,15598
37355	1690,31371	1,228;1654,2825;7501,7667;11999,12124;13303,13390;13486,13589;31204,32812
37356	100,2644	1,193;533,640;732,831;908,1046;1569,1653;1823,1927;2080,2195;2279,2352;2529,3191

37356 100,2644 26,193;533,640;732,831;908,1046;1569,1653;1823,
 1927;2080,2195;2279,2352;2529,3194
 37357 949,3439 1,1005;1434,1539;1697,1849;2329,2400;2524,2629;
 2811,2844;2943,3029;3162,3242;3391,3537
 37357 949,3439 922,1005;1434,1539;1697,1849;2329,2400;2524,262
 9;2811,2844;2943,3029;3162,3242;3391,3537
 37358 1658,82504 1,162;558,589;1634,1852;3659,3709;77309,77441
 ;80281,80428;82407,83039
 37358 1658,82504 231,589;1634,1852;3659,3709;77309,77441;80281
 ,80428;82407,83039
 37359 41,28052 1,275;1133,1270;2943,3268;8820,9029;10559,10714
 ;11287,11412;12858,13049;14472,14606;14940,15055;16028,16056;16516,16639;22063,2
 2222;22681,22792;23238,23481;23655,23724;25053,25155;26439,26597;26691,26806;273
 74,27486;27817,28843
 37359 41,28052 38,275;1133,1270;2943,3268;8820,9029;10559,1071
 4;11287,11412;12858,13049;14472,14606;14940,15055;16028,16056;16516,16639;22063,
 22222;22681,22792;23238,23481;23655,23724;25053,25155;26439,26597;26691,26806;27
 374,27486;27817,28847
 37360 515,2378 1,198;448,573;784,971;1538,1730;1861,2636
 37360 515,2378 1,208;448,573;784,971;1538,1730;1861,2636
 37360 515,2378 1,264;448,573;784,971;1538,1730;1861,2636
 37361 77,4213 1,626;770,799;830,839;987,1055;1294,1455;3171,33
 12;4153,4663;182891,182988
 37361 46586,79135 46573,46661;49558,49788;64763,64927;65997,66
 440;66997,67208;71646,72074;72664,73051;73379,73578;74079,74331;75450,75643;7595
 6,76055;76621,76893;76985,77171;77445,77622;78985,79535
 37361 46586,79135 46573,46661;49558,49788;64763,64927;65997,66
 440;66997,67208;71646,72074;72664,73051;73379,73578;74079,74331;75450,75643;7595
 6,76055;76621,76893;76985,77171;77445,77622;78985,79538
 37361 46586,74601 46573,46661;49558,49788;64763,64927;65997,66
 440;66997,67208;71646,72074;72664,73051;73379,73578;74079,75072
 37361 46586,74601 46586,46661;49558,49788;64763,64871;65683,65
 715;66142,66440;66997,67208;71646,72074;72664,73051;73379,73578;74079,75065
 37361 68996,79135 68672,69103;71646,72074;72664,73051;73379,73
 578;74079,74331;75450,75643;75956,76055;76621,76893;76985,77171;77445,77622;7898
 5,79535
 37361 68996,79135 68672,69103;71646,72074;72664,73051;73379,73
 578;74079,74331;75450,75643;75956,76055;76621,76893;76985,77171;77445,77622;7898
 5,79538
 37362 65142,152071 1,66;65133,65259;69083,69282;72781,72841;81
 719,81881;83026,83057;83157,83242;88465,88594;94133,94242;95008,95125;96677,9683
 7;101112,101285;115873,115964;117912,117974;123465,123603;138196,138384;149339,1
 49467;151915,153134
 37362 65142,152071 64959,65259;69083,69282;72781,72838;81719,8
 1881;83026,83057;83157,83242;88465,88594;94133,94242;95008,95125;96677,96837;101
 112,101285;115873,115964;117912,117974;123465,123603;138196,138384;149339,149467
 ;151915,153113
 37363 2241,24020 1,74;2239,2444;4455,4639;6178,6245;10275,1040
 8;11322,11517;13286,13443;14497,14580;17193,17291;18766,18879;21194,21316;22775,
 22948;23930,24342

37363 2241,24020 37,74;2239,2444;4455,4639;6178,6245;10275,10408;11322,11517;13286,13443;14497,14580;17193,17291;18766,18879;21194,21316;22775,22948;23930,24344

37364 76569,85360 1,24;76542,76688;77258,77387;78608,78666;81740,81848;82006,82035;82471,82518;82643,82757;82866,82937;84352,84431;84689,84767;84866,85042;85281,85515

37364 76569,85360 76472,76688;77258,77387;78608,78666;81740,81848;82006,82035;82471,82518;82643,82757;82866,82937;84352,84431;84689,84767;84866,85042;85281,86052

37365 1,452164 1,2527;452024,452163

37365 280424,289205 274673,274904;280394,280754;281996,282174;283113,283292;284410,284533;284732,284832;288929,289475

37365 280424,350709 274677,274904;280394,280754;281996,282174;283113,283292;284410,284533;284732,284832;295555,295659;297142,297271;301473,301559;301888,301978;306169,306310;309566,309649;311568,311681;318236,318374;320226,320339;324070,324217;329311,329404;342900,343062;343845,344013;347727,347862;350583,351033

37365 280424,350709 274677,274904;280394,280754;281996,282174;283113,283292;284410,284533;284732,284832;295555,295659;297142,297271;301473,301559;301888,301978;306169,306310;309566,309649;311568,311681;318236,318374;320226,320339;324070,324217;329311,329404;342900,343062;343845,344013;347727,347862;350583,351037

37365 280556,295939 280554,280754;281996,282174;283113,283292;284410,284533;284732,284832;295555,295659;295840,296274

37366 139,1460 1,187;936,1068;1255,1348;1439,1708

37367 116,17210 1,428;4131,4281;5193,5333;5457,5528;6139,6216;10230,10407;15077,15250;17153,19377

37367 116,17210 30,428;4131,4281;5193,5333;5439,5528;6094,6216;10230,10407;15077,15250;17153,19378

37368 53,416189 1,328;301058,301101;332341,332378;336895,336974;339269,339313;343144,343188;345085,345128;354176,354262;393806,393891;394542,394662;395712,395806;403269,403389;410851,410939;416100,418046

37368 171349,416189 170479,171570;301058,301101;332341,332378;336895,336974;339269,339313;343144,343188;345085,345128;354176,354262;393806,393891;394542,394662;395712,395806;403269,403389;410851,410939;416100,418196

37368 171349,416189 171350,171570;301058,301105;332259,332334;332337,332378;336895,336974;339269,339313;343144,343188;345085,345128;354176,354262;393806,393891;394542,394662;395712,395806;403269,403389;410851,410939;416100,416189

37368 22620,416189 22404,22862;301058,301101;332341,332378;336895,336974;339269,339313;343144,343188;345085,345128;354176,354262;393806,393891;394542,394662;395712,395806;403269,403389;410851,410939;416100,418046

37368 22620,416189 22621,22862;301058,301101;332341,332378;336895,336974;339269,339313;343144,343188;345085,345128;354176,354262;393806,393891;394542,394662;395712,395806;403269,403389;410851,410939;416100,418046

37368 53,416189 54,328;301058,301101;332341,332378;336895,336974;339269,339313;343144,343188;345085,345128;354176,354262;393806,393891;394542,394662;395712,395806;403269,403389;410851,410939;416100,418196

37369 1,65880 1,278;43619,43785;50311,50524;51272,51404;65856,68857

37369 187,65957 7,278;43619,43785;50311,50524;51272,51404;5410
0,54202;65856,68857

37369 187,65880 7,278;43619,43785;50311,50524;51272,51404;6585
6,68857

37370 561,145274 111,252;420,755;38243,38344;47567,47691;53024
,53104;62861,63075;65506,65580;67110,67261;69364,69474;76479,76590;79231,79398;8
1907,82100;89435,89551;95831,95979;99005,99146;99764,99860;104084,104200;106375,
106554;109778,109917;112419,112592;113208,113353;113789,113951;114826,114959;115
420,115591;118457,118588;120102,120244;121224,121362;121821,121958;123610,123743
;124671,124835;125636,125789;132509,132696;134238,134427;135399,135554;136812,13
6971;138717,138847;139954,140047;140515,140634;145128,145836

37370 561,145274 1,269;420,755;38243,38344;47567,47691;53024,5
3104;62861,63075;65506,65601;67110,67261;69364,69474;76479,76590;79231,79398;819
07,82100;89435,89551;95831,95979;99005,99146;99764,99860;104084,104200;106375,10
6554;109778,109917;112419,112592;113208,113353;113789,113951;114826,114959;11542
0,115591;118457,118588;120102,120244;121224,121362;121821,121958;123610,123743;1
24671,124835;125636,125789;132509,132696;134238,134427;135399,135554;136812,1369
71;138717,138847;139954,140047;140515,140634;145128,145845

37370 561,40735 561,755;38243,38344;40642,40734

37371 79,6400 1,481;3780,4006;4552,4671;6274,6414;7385,8868

37371 79,6400 79,481;3780,4006;4552,4671;6274,6414;7385,8860

37372 32,5501 1,298;386,446;1137,1195;2444,2475;2732,2813;4882
,5003;5082,5159;5428,5568

37372 32,5501 18,298;386,446;1137,1195;2444,2475;2732,2813;488
2,5003;5082,5159;5428,6380

37373 115,38451 111,187;10940,11081;14723,14851;17756,17889;19
529,19621;23619,23657;25304,25327;29818,29907;30295,30395;37424,37652;38344,3848
4

37373 115,38451 1,187;10940,11081;14723,14851;17756,17889;1952
9,19621;29818,29907;30295,30395;37424,37652;38344,38802

37373 115,38451 37,187;10940,11081;14723,14851;17756,17889;195
29,19621;29818,29907;30295,30395;37424,37652;38344,38802

37374 153374,211687 114343,114385;153363,153620;158982,159078;
165405,165503;169323,169426;170391,170540;176969,177148;178721,178797;178897,179
050;198795,198926;211478,212141

37374 153374,211687 1,457;26796,26836;92790,92859;153363,15362
0;158982,159078;165405,165503;169323,169426;170391,170540;173157,173321;176969,1
77148;178721,178797;178897,179050;198795,198926;211478,212143

37374 153374,211687 1,457;26796,26836;92790,92859;153363,15362
0;158982,159078;165405,165503;169323,169426;170391,170540;176969,177148;178721,1
78797;178897,179050;198795,198926;211478,212141

37374 153374,211687 153363,153620;158982,159078;165405,165503;
169323,169426;170391,170540;173755,173910;176969,177148;178721,178797;178897,179
050;198795,198926;211478,212143

37374 153374,211687 79544,79802;92790,92859;153363,153620;1589
82,159078;165405,165503;169323,169426;170391,170540;173755,173910;176969,177148;
178721,178797;178897,179050;198795,198926;211478,212060

37375 118,316358 1,185;2104,2413;6567,6672;155731,155870;16508
5,165227;170612,170764;171291,171487;178665,178768;207593,207762;223253,223340;2
23634,223693;224707,224733;227266,227426;228386,228611;228744,228951;231831,2319

51;235394,235508;236029,236098;236968,237034;237767,237914;240326,240455;245232,
245291;247963,248069;249692,249779;250576,250683;250775,250827;252254,252400;254
220,254421;256701,256859;258524,258634;266950,267033;274925,274969;275376,275504
;277785,277850;279539,279630;280838,280997;281555,281682;281812,281908;284978,28
5080;286518,286619;291774,291904;305201,305317;306010,306377;307099,307125;30837
5,308524;309935,310098;313601,313722;314930,315250;316065,316886
37375 118,316358 119,185;2104,2413;6567,6672;155731,155870;165
085,165227;170612,170764;171291,171487;177975,178078;207593,207762;223253,223340
;224707,224733;227266,227426;228386,228611;228744,228951;231831,231951;235394,23
5508;236029,236098;236968,237034;237767,237914;240326,240455;245232,245291;24796
3,248069;249692,249779;250576,250683;250775,250827;252254,252400;254220,254421;2
56701,256859;258524,258634;266950,267033;274925,274969;275376,275504;277785,2778
50;279539,279630;280838,280997;281555,281682;281812,281908;284978,285080;286518,
286619;291774,291904;305201,305317;306010,306377;307099,307125;308375,308524;309
935,310098;313601,313722;314930,315250;316065,316358
37376 5147,9980 1,142;5125,5259;5784,5922;6429,6568;7066,7152;
7366,7481;9100,9235;9511,9606;9685,9777;9904,11111
37376 5147,9980 48,142;5125,5259;5784,5922;6429,6568;7066,7152
;7366,7481;9100,9235;9511,9606;9685,9777;9904,11115
37376 5147,9980 48,142;5125,5259;5784,5922;6429,6613;7066,7152
;7366,7481;9100,9235;9511,9606;9685,9777;9904,11113
37376 5147,9980 48,142;5125,5259;5784,5922;6429,6613;7066,7152
;7366,7481;9100,9235;9511,9606;9685,9777;9904,11115
37376 5147,9980 5148,5259;5784,5922;6429,6613;7066,7152;7366,7
481;9100,9235;9511,9606;9685,9777;9904,10199
37377 5293,201446 1,188;5270,5399;27155,27321;126834,127007;13
0432,130599;140832,141012;143342,143451;147388,147559;153055,153210;153679,15390
8;165594,165700;173636,173848;185092,185375;193098,193208;193719,193815;197689,1
97918;198708,198782;201340,201916
37377 5293,201446 1,188;5270,5399;27155,27321;126834,127007;13
0432,130599;140832,141012;143342,143451;147388,147559;153055,153210;153679,15390
8;165594,165700;173636,173848;185092,185375;193098,193815;197689,197918;198708,1
98782;201340,201916
37377 5293,30480 60,188;5270,5399;27155,27321;30448,31673
37378 132,4170 1,184;632,828;928,982;1337,1531;1608,1711;2830,
2949;3030,3198;3593,3715;4010,4351
37378 273,4283 19,982;1337,1531;1608,1711;2830,2949;3030,3198;
3431,3511;3593,3715;4010,4343
37378 273,4283 274,561;566,607;612,923;928,982;1337,1531;1608,
1711;2830,2949;3030,3198;3431,3511;3593,3715;4010,4089;4094,4189;4194,4343
37378 132,4170 5,184;632,828;928,982;1337,1531;1608,1711;2830,
2949;3030,3198;3431,3511;3593,3715;4010,4343
37379 4601,34412 1,174;4567,4678;6135,6234;25717,25857;34248,3
5548
37379 4601,34412 2756,2899;4567,4678;6135,6234;25717,25857;342
48,35548
37379 4601,34412 4552,4678;6135,6234;25717,25857;34248,35548
37380 16701,68065 113,189;16690,16809;28944,29077;33682,33831;
37049,37124;38228,38389;38991,39094;41337,41446;41542,41639;41955,42068;44979,45
093;46637,46779;53139,53241;60451,60521;61169,61267;67898,68144

37380 16701,68065 1,189;16690,16809;28944,29077;33682,33831;37
 049,37124;38228,38389;38991,39094;41337,41446;41542,41639;41955,42068;44979,4509
 3;46637,46779;53139,53241;60451,60521;61169,61267;67898,68769
 37381 16701,68065 113,189;16690,16809;28944,29077;33682,33831;
 37049,37124;38228,38389;38991,39094;41337,41446;41542,41639;41955,42068;44979,45
 093;46637,46779;53139,53241;60451,60521;61169,61267;67898,68144
 37381 16701,68065 1,189;16690,16809;28944,29077;33682,33831;37
 049,37124;38228,38389;38991,39094;41337,41446;41542,41639;41955,42068;44979,4509
 3;46637,46779;53139,53241;60451,60521;61169,61267;67898,68769
 37382 61,16748 1,664;13950,14075;15963,17253
 37382 61,16748 39,664;13950,14075;15963,17253
 37382 61,16748 61,267;397,664;13950,14075;15963,17253
 37383 123,52601 1,178;21384,21488;23360,23391;40176,40280;4377
 1,43891;46637,46722;52422,52638;60838,61638
 37383 123,52601 51,178;21384,21488;23360,23391;40176,40280;437
 71,43891;46637,46722;52422,52638;60838,61642
 37384 30379,32956 1,87;1520,1635;6022,6107;8421,8523;8532,8611
 ;10652,10816;30375,33105
 37385 77,12670 1,141;1515,1614;1675,1679;5252,5358;8320,8482;8
 706,8759;12609,15519
 37385 77,9191 1,141;1515,1614;1675,1679;5252,5358;8320,8482;87
 06,8759;8893,11249
 37385 77,12670 1,141;1515,1621;5257,5358;8320,8482;8706,8759;1
 2609,13883
 37385 77,9191 1,141;1515,1621;5257,5358;8320,8482;8706,8759;88
 93,11249
 37386 77,12662 1,141;1499,1605;5240,5341;8305,8467;8691,8744;1
 2601,13875
 37386 77,9176 1,141;1499,1605;5240,5341;8305,8467;8691,8744;88
 78,11238
 37387 104,20991 1,140;221,268;17499,17611;20862,21026;23030,24
 123
 37387 104,20991 1,140;221,268;17499,17611;20862,21370
 37388 104,20991 1,140;221,268;17499,17611;20862,21026;23030,24
 123
 37388 104,20991 1,140;221,268;17499,17611;20862,21370
 37389 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
 9,37294;38258,38365;39034,39126;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;
 49688,49816;53277,53384;53844,53867;54927,55034;56046,56135;56377,56487;56767,56
 868;58656,59256
 37389 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
 9,37294;38258,38365;39034,39126;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;
 53277,53384;53844,53867;54927,55034;56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59
 256
 37389 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
 9,37294;38258,38365;39034,39126;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;
 54927,55034;56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59256
 37389 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
 9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;46649,46693;48134,48278;
 49688,49816;56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59257

37389 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;46649,46693;48134,48278;
56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59256

37389 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;49688,49816;
54927,55034;56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59256

37389 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;49688,49816;
56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59258

37389 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;54927,55034;
56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59256

37389 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;56046,56135;
56377,56487;56767,56868;58656,59256

37389 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;56377,56487;
56767,56868;58656,59256

37389 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;56377,56487;
56767,56868;58656,59258

37390 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;39034,39126;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;
49688,49816;53277,53384;53844,53867;54927,55034;56046,56135;56377,56487;56767,56
868;58656,59256

37390 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;39034,39126;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;
53277,53384;53844,53867;54927,55034;56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59
256

37390 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;39034,39126;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;
54927,55034;56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59256

37390 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;46649,46693;48134,48278;
49688,49816;56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59257

37390 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;46649,46693;48134,48278;
56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59256

37390 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;49688,49816;
54927,55034;56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59256

37390 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;49688,49816;
56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59258

37390 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;54927,55034;
56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59256

37390 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;56046,56135;
56377,56487;56767,56868;58656,59256

37390 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;56377,56487;
56767,56868;58656,59256

37390 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;56377,56487;
56767,56868;58656,59258

37391 3387,9515 1,47;143,227;2653,2863;3318,3584;4701,4809;646
7,6725;8923,9021;9331,10088

37391 3387,9515 1510,2863;3318,3584;4701,4809;6467,6725;8923,9
021;9331,9718

37391 3387,9515 2604,2863;3318,3584;4701,4809;6467,6725;8923,9
021;9331,10088

37391 6487,9515 2604,2863;3318,3584;4701,4809;6467,6725;8923,9
021;9331,10088

37391 6487,9515 2651,2863;3318,3584;6467,6725;8923,9021;9331,1
0088

37392 1456,111430 1,198;1457,1720;53686,53787;54131,54295;5478
4,54858;55546,55647;55881,56102;59457,59603;61244,61378;62754,62837;64847,64978;
66649,66711;67658,67737;68455,68590;72953,73176;77473,77704;83585,83736;84923,85
095;85445,85538;91379,91460;91572,91772;101499,101674;101761,101858;104202,10437
7;105816,105884;107314,107479;111372,111442;112287,113678

37392 1456,107487 1,198;1457,1720;53686,53787;54131,54295;5478
4,54858;55546,55647;55881,56102;59457,59603;61244,61378;62754,62837;64847,64978;
66649,66711;67658,67737;68455,68590;72953,73176;77473,77704;83585,83736;84923,85
095;85445,85538;91379,91460;91572,91772;101499,101674;101761,101858;104202,10437
7;105816,105884;107314,107676

37392 1456,111430 1,198;1457,1720;53686,53787;54131,54295;5478
4,54858;55546,55655;55883,56102;59457,59603;61244,61378;62754,62837;64847,64978;
66649,66711;67658,67737;68455,68590;72953,73176;77473,77704;83585,83736;84923,85
095;85445,85538;91379,91460;91572,91772;101499,101674;101761,101858;104202,10437
7;105816,105884;107314,107479;111372,111442;112287,113678

37393 2337,3446 1,566;793,941;2271,2397;2774,2912;2983,3893

37393 2337,3446 2040,2397;2774,2912;2983,3893

37393 2337,3446 2310,2397;2750,2912;2983,3893

37393 2662,3446 2663,2912;2983,3893

37393 2337,3446 493,566;2271,2397;2750,2912;2983,3920

37394 1465,5710 1,102;946,1091;1451,1717;2297,2532;3476,3666;3
798,3920;5194,5298;5436,6214

37394 1465,5710 1465,1717;2297,2532;3476,3666;3798,3920;5194,5
298;5436,6214

37394 1465,3496 28,102;1017,1091;1430,1717;2297,2395;2449,2532
;3476,3666;3798,3920;5194,5298;5436,6213

37395 74143,183589 1,26;59432,59588;74127,74232;81215,81381;88
832,88929;98417,98594;106947,107126;108718,108813;113124,113264;120552,120699;12
2034,123354;126397,126577;142055,142172;143774,143942;144967,145281;154898,15499
9;157250,157652;167448,167622;173439,173622;178153,178242;183545,183601;183687,1
83982

37395 74143,183857 1,26;59432,59588;74127,74232;81215,81381;88
832,88929;98417,98594;106947,107126;108718,108813;113124,113264;120552,120699;12
2034,123354;126397,126577;142055,142172;143774,143942;144967,145281;154898,15499

9;157250,157652;167448,167622;173439,173622;178153,178242;183687,183982
 37395 74143,183857 7,26;59432,59588;74127,74232;81215,81381;88
 832,88929;98417,98594;106947,107126;108718,108813;113124,113264;120552,120699;12
 2034,123354;126397,126577;142055,142172;143774,143942;144967,145281;154898,15499
 9;157250,157652;167448,167622;173439,173622;178153,178242;183690,183982
 37396 56,20020 1,209;3330,3533;6571,6615;7746,7825;12362,12533
 ;12758,12804;13900,13990;14771,14840;14986,15133;16479,16569;17774,17863;18378,1
 8554;19934,20244
 37396 56,20020 1,209;3330,3533;6571,6615;7746,7825;12362,12533
 ;12758,12804;13900,13990;14771,14840;14986,15133;16479,16569;17774,17863;19934,2
 0244
 37396 56,20020 57,209;3330,3533;6571,6615;7746,7825;12362,1253
 3;12758,12804;13900,13990;14771,14840;14986,15133;16479,16569;17774,17863;18378,
 18554;19934,20245
 37397 15,20408 1,97;2586,2690;5499,5668;19355,19455;19806,1990
 5;20379,21118
 37397 15,19917 5,97;2586,2690;5499,5668;19355,19455;19806,2111
 8
 37397 15,19917 5,97;2586,2690;5499,5668;19355,19455;19806,2112
 2
 37398 742,3726 1,1144;3164,3386;3647,3780
 37398 742,7657 158,1144;3164,3386;7059,8100
 37399 32,12843 1,35;6179,6284;12719,13038
 37399 32,12848 1,35;6179,6284;7199,7304;12719,13038
 37400 58912,62505 1,108;22387,22460;58887,59068;59496,59670;60
 272,60441;60935,61121;62351,63829
 37400 58912,62434 21776,22460;58887,59068;59496,59670;60272,60
 441;62351,63829
 37400 58912,62434 22406,22460;58887,59068;59496,59670;60272,60
 441;60935,61121;61723,61922;62351,63424
 37401 58912,62505 1,108;22387,22460;58887,59068;59496,59670;60
 272,60441;60935,61121;62351,63829
 37401 58912,62434 21776,22460;58887,59068;59496,59670;60272,60
 441;62351,63829
 37401 58912,62434 22406,22460;58887,59068;59496,59670;60272,60
 441;60935,61121;61723,61922;62351,63424
 37402 3485,6749 1,130;3483,3611;4942,5027;5242,5359;6194,6297;
 6737,7143
 37402 3485,6819 20,130;3483,3611;4942,5027;6194,6297;6737,7138
 37402 3485,6307 3485,3611;4942,5027;5242,5359;6194,6306
 37403 114,54778 1,177;35166,35365;38216,38322;38926,39132;4587
 7,46013;54725,55673
 37403 114,54778 4,177;35166,35365;38216,38322;38926,39132;4587
 7,46013;54725,55680
 37404 5147,51211 1,140;5124,5305;6478,6600;8736,8798;9320,9510
 ;9952,10031;11448,11578;12374,12492;13362,13498;14230,14291;17207,17324;20235,20
 389;21181,21271;22371,22400;25846,25987;26573,26741;31317,31421;32712,32908;3474
 6,34827;35788,35898;40096,40223;40824,40917;45055,45209;46838,46988;47188,47331;
 49433,49546;49895,49977;50235,50311;51116,52089
 37404 5147,51211 1,140;5124,5305;6478,6600;8736,8798;9320,9510

;9952,10031;11448,11578;12374,12492;13362,13498;14230,14291;17207,17324;20235,20389;21181,21271;22371,22400;25846,25987;26573,26741;31317,31421;32712,32908;34746,34827;35788,35898;40096,40223;40824,40917;45055,45209;46838,46988;47188,47331;49433,49546;49895,49977;50235,50311;51116,52092

37404 5147,51211 1,140;5124,5305;6478,6600;8736,8798;9320,9510
;9952,10031;11448,11578;12374,12492;13362,13498;14230,14291;17207,17324;20235,20389;21181,21271;25846,25987;26573,26741;31317,31421;32712,32908;34746,34827;35788,35898;40096,40223;40824,40917;45055,45209;46838,46988;47188,47331;49433,49546;49895,49977;50235,50311;51116,52089

37404 5147,51211 1,140;5124,5305;6478,6600;8736,8798;9320,9510
;9952,10031;11448,11578;12374,12492;13362,13498;14230,14291;17207,17324;20235,20389;21181,21271;25846,25987;26573,26741;31317,31421;32712,32908;34746,34827;35788,35898;40096,40223;40824,40917;45055,45209;46838,46988;47188,47331;49433,49546;49895,49977;50235,50311;51116,52092

37405 813,4404 1,73;808,1017;1339,1544;1869,2021;2109,2664;2876,3078;3307,3370;4309,4644

37405 813,4404 1,73;808,1017;1339,1544;1869,2021;2109,2664;2876,3078;3307,3505;3653,3885;4218,4644

37405 813,4404 21,73;808,1017;1339,1544;1869,2021;2109,2664;2876,3078;3307,3391;4318,4403

37406 106,5000 107,634;1648,1717;1850,1929;3687,3869;3996,4072;4539,4693;4786,5124

37406 106,5000 1,634;1648,1717;1850,1929;3429,3521;3687,3869;3996,4072;4539,4693;4786,5124

37406 106,5000 1,634;1648,1717;1850,1929;3687,3869;3996,4072;4539,4693;4786,5133

37407 2,383 1,445

37407 2,383 2,382

37408 11235,34865 1,445;11207,12143;19915,20142;21353,21580;24066,24175;25418,25522;25749,25872;28643,28908;33175,33307;33578,33698;34683,35583

37408 1537,34865 1468,1544;11207,12143;17461,17505;19915,20142;21353,21580;24066,24175;25418,25522;25749,25872;28643,28908;33175,33307;33578,33698;34683,35779

37409 79403,82021 1,28;79374,79589;79768,79898;81364,83016

37409 64866,67440 64143,64948;65105,65142;65343,65425;66213,66292;67283,67847

37409 65309,67440 64480,64574;64729,64948;65105,65425;66213,66292;67283,67606

37410 0,873 1,873

37411 362,80652 1,478;24904,25033;31494,31552;45078,45189;45896,45925;46254,46301;48053,48167;48742,48813;68192,68271;74776,74854;79660,79833;80585,82963

37411 362,74907 1,478;24904,25033;31494,31552;45078,45189;45896,45925;46254,46301;48053,48167;48742,48813;68192,68271;74776,74963

37411 362,79821 1,478;24904,25033;31494,31552;45078,45189;45896,45925;46254,46301;48053,48167;48742,48813;68192,68271;79660,79833;80585,82963

37411 362,80652 1,478;24904,25033;31494,31552;45078,45189;45896,45925;46254,46301;48053,48167;48742,48813;72393,72472;74776,74854;79660,79833;80585,82963

37411 102787, 111578 26219, 26242; 102760, 102906; 103476, 103605; 104826, 104884; 107958, 108066; 108224, 108253; 108689, 108736; 108861, 108975; 109084, 109155; 110570, 110649; 110907, 110985; 111084, 111260; 111499, 111733

37412 62, 12623 1, 88; 7441, 7581; 9194, 9308; 10112, 10198; 10446, 10514; 10674, 10889; 11284, 11392; 11588, 11719; 11800, 11867; 12453, 12740

37412 62, 11436 1, 88; 7441, 7581; 9194, 9308; 10112, 10198; 10446, 10514; 10674, 10889; 11284, 11719; 11800, 11867; 12453, 12740

37413 7021, 16460 1, 105; 781, 837; 7013, 7175; 8163, 8356; 10611, 10912; 12949, 13044; 13235, 13431; 13761, 13845; 14220, 14322; 14853, 14892; 15091, 15200; 16326, 17550

37413 17115, 17420 54, 105; 781, 837; 7013, 7175; 8163, 8356; 10611, 10912; 12949, 13044; 13235, 13431; 13761, 13845; 14220, 14322; 14853, 14892; 15091, 15200; 16326, 17283; 17286, 17550

37414 53, 416189 1, 328; 301058, 301101; 332341, 332378; 336895, 336974; 339269, 339313; 343144, 343188; 345085, 345128; 354176, 354262; 393806, 393891; 394542, 394662; 395712, 395806; 403269, 403389; 410851, 410939; 416100, 418046

37414 171349, 416189 170479, 171570; 301058, 301101; 332341, 332378; 336895, 336974; 339269, 339313; 343144, 343188; 345085, 345128; 354176, 354262; 393806, 393891; 394542, 394662; 395712, 395806; 403269, 403389; 410851, 410939; 416100, 418196

37414 171349, 416189 171350, 171570; 301058, 301105; 332259, 332334; 332337, 332378; 336895, 336974; 339269, 339313; 343144, 343188; 345085, 345128; 354176, 354262; 393806, 393891; 394542, 394662; 395712, 395806; 403269, 403389; 410851, 410939; 416100, 416189

37414 22620, 416189 22404, 22862; 301058, 301101; 332341, 332378; 336895, 336974; 339269, 339313; 343144, 343188; 345085, 345128; 354176, 354262; 393806, 393891; 394542, 394662; 395712, 395806; 403269, 403389; 410851, 410939; 416100, 418046

37414 22620, 416189 22621, 22862; 301058, 301101; 332341, 332378; 336895, 336974; 339269, 339313; 343144, 343188; 345085, 345128; 354176, 354262; 393806, 393891; 394542, 394662; 395712, 395806; 403269, 403389; 410851, 410939; 416100, 418046

37414 53, 416189 54, 328; 301058, 301101; 332341, 332378; 336895, 336974; 339269, 339313; 343144, 343188; 345085, 345128; 354176, 354262; 393806, 393891; 394542, 394662; 395712, 395806; 403269, 403389; 410851, 410939; 416100, 418196

37415 68282, 165747 1, 158; 68236, 68399; 73517, 73586; 79275, 79348; 81151, 81280; 83577, 83682; 86636, 86691; 91320, 91417; 91949, 92113; 95632, 95712; 99086, 99266; 105874, 106018; 107832, 107989; 109637, 109728; 111758, 111830; 113331, 113458; 117261, 117356; 117667, 117840; 121382, 121420; 123942, 124035; 130555, 130685; 130778, 130855; 132424, 132553; 136739, 136829; 137579, 137729; 140792, 141000; 141963, 142041; 143265, 143425; 145966, 145995; 149108, 149146; 158340, 158443; 159231, 159362; 162407, 162433; 164798, 165016; 165548, 166963

37415 68282, 165747 67, 158; 68236, 68399; 73517, 73586; 79275, 79348; 81151, 81280; 83577, 83682; 86636, 86691; 91320, 91417; 91949, 92113; 95632, 95712; 99086, 99266; 105874, 106018; 107832, 107989; 109637, 109728; 111758, 111830; 113331, 113458; 117261, 117356; 117667, 117840; 121382, 121420; 123942, 124035; 130555, 130685; 130778, 130855; 132424, 132553; 136739, 136829; 137579, 137729; 140792, 141000; 141963, 142041; 143265, 143425; 158340, 158443; 159231, 159362; 162407, 162433; 164798, 165016; 165548, 166962

37416 267, 74515 1, 414; 1245, 1373; 2608, 2745; 4105, 4236; 5217, 5354; 7731, 7889; 10784, 10975; 11744, 11923; 12543, 12719; 13826, 13978; 15268, 15396; 16684, 16827; 21111, 21232; 25955, 26135; 26330, 26506; 27643, 27771; 27872, 27961; 28748, 28942; 29559, 29831; 31414, 31680; 36718, 36812; 38221, 38389; 38846, 38932; 41350, 41541; 42866, 43138; 44255, 44437; 47768, 47857; 49111, 49380; 51093, 51209; 51885, 52049; 52586, 52741; 53744, 5385

7;54989,55258;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;63694,63960;64054,64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75611

37416 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,16827;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;42866,43138;44255,44437;47768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;54989,55258;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;63694,64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75611

37416 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,16827;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;42866,43138;44255,44437;47768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;54989,55258;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;63694,63960;64054,64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75611

37416 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,16827;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;42866,43138;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;54989,55258;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;63694,64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75203

37416 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,16827;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;44255,44437;47768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;54989,55258;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;63694,63960;64054,64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75611

37416 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,16827;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;44255,44437;47768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;54989,55258;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;63694,64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75611

37416 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,16827;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;44255,44437;47768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;54989,55258;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;63694,63960;64054,64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75611

37416 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;

7731, 7889; 10784, 10975; 11744, 11923; 12543, 12719; 13826, 13978; 15268, 15396; 16684, 16827; 21111, 21232; 25955, 26135; 26330, 26506; 27643, 27771; 27872, 27961; 28748, 28942; 29559, 29831; 31414, 31680; 36718, 36812; 38221, 38389; 38846, 38932; 41350, 41541; 44255, 44437; 47768, 47857; 49111, 49380; 51093, 51209; 51885, 52049; 52586, 52741; 53744, 53857; 54989, 55258; 56752, 56939; 57807, 57894; 59395, 59571; 60351, 60440; 60676, 60855; 62658, 62747; 64054, 64160; 65637, 65775; 70439, 70564; 71084, 71190; 73990, 74100; 74443, 75207

37416 267, 68057 1, 414; 1245, 1373; 2608, 2745; 4105, 4236; 5217, 5354;
7731, 7889; 10784, 10975; 11744, 11923; 12543, 12719; 13826, 13978; 15268, 15396; 16684, 16827; 21111, 21232; 25955, 26135; 26330, 26506; 27643, 27771; 27872, 27961; 28748, 28942; 29559, 29831; 31414, 31680; 36718, 36812; 38221, 38389; 38846, 38932; 41350, 41541; 44255, 44437; 47768, 47857; 49111, 49380; 51093, 51209; 51885, 52049; 52586, 52741; 53744, 53857; 54989, 55258; 56752, 56939; 57807, 57894; 59395, 59571; 60351, 60440; 60676, 60855; 62658, 62747; 64054, 64160; 68042, 68206; 70439, 70564; 71084, 71190; 73990, 74100; 74443, 75203

37416 267, 74515 1, 414; 1245, 1373; 2608, 2745; 4105, 4236; 5217, 5354;
7731, 7889; 10784, 10975; 11744, 11923; 12543, 12719; 13826, 13978; 15268, 15396; 16684, 16827; 21111, 21232; 25955, 26135; 26330, 26506; 27643, 27771; 27872, 27961; 28748, 28942; 29559, 29831; 31414, 31680; 36718, 36812; 38221, 38389; 38846, 38932; 41350, 41541; 44255, 44437; 47768, 47857; 49111, 49380; 51093, 51209; 51885, 52049; 52586, 52741; 53744, 53857; 54989, 55258; 56752, 56939; 57807, 57894; 59395, 59571; 60351, 60440; 60676, 60855; 62658, 62747; 68042, 68206; 70439, 70564; 71084, 71190; 73990, 74100; 74443, 75207

37416 267, 74515 1, 414; 1245, 1373; 2608, 2745; 4105, 4236; 5217, 5354;
7731, 7889; 10784, 10975; 11744, 11923; 12543, 12719; 13826, 13978; 15268, 15396; 16684, 16827; 21111, 21232; 25955, 26135; 26330, 26506; 27643, 27771; 27872, 27961; 28748, 28942; 29559, 29831; 31414, 31680; 36718, 36812; 38221, 38389; 38846, 38932; 41350, 41541; 44255, 44437; 47768, 47857; 49111, 49380; 51093, 51209; 51885, 52049; 52586, 52741; 53744, 53857; 56752, 56939; 57807, 57894; 59395, 59571; 60351, 60440; 60676, 60855; 62658, 62747; 63694, 64160; 65637, 65775; 68042, 68206; 70439, 70564; 71084, 71190; 73990, 74100; 74443, 75611

37416 267, 74515 1, 414; 1245, 1373; 2608, 2745; 4105, 4236; 5217, 5354;
7731, 7889; 10784, 10975; 11744, 11923; 12543, 12719; 13826, 13978; 15268, 15396; 16684, 16827; 21111, 21232; 25955, 26135; 26330, 26506; 27643, 27771; 27872, 27961; 28748, 28942; 29559, 29831; 31414, 31680; 36718, 36812; 38221, 38389; 38846, 38932; 41350, 41541; 44255, 44437; 47768, 47857; 49111, 49380; 51093, 51209; 51885, 52049; 52586, 52741; 53744, 53857; 56752, 56939; 57807, 57894; 59395, 59571; 60351, 60440; 60676, 60855; 62658, 62747; 63769, 63960; 64054, 64160; 65637, 65775; 68042, 68206; 70439, 70564; 71084, 71190; 73990, 74100; 74443, 75611

37416 267, 74515 1, 414; 1245, 1373; 2608, 2745; 4105, 4236; 5217, 5354;
7731, 7889; 10784, 10975; 11744, 11923; 12543, 12719; 13826, 13978; 15268, 15396; 16684, 16827; 21111, 21232; 25955, 26135; 26330, 26506; 27643, 27771; 27872, 27961; 28748, 28942; 29559, 29831; 31414, 31680; 36718, 36812; 38221, 38389; 38846, 38932; 41350, 41541; 44255, 44437; 47768, 47857; 49111, 49380; 51093, 51209; 51885, 52049; 52586, 52741; 53744, 53857; 56752, 56939; 57807, 57894; 59395, 59571; 60351, 60440; 60676, 60855; 62658, 62747; 64054, 64160; 65637, 65775; 68042, 68206; 70439, 70564; 71084, 71190; 73990, 74100; 74443, 75611

37416 267, 21266 1, 414; 1245, 1373; 2608, 2745; 4105, 4236; 5217, 5354;
7731, 7889; 10784, 10975; 11744, 11923; 12543, 12719; 13826, 13978; 15268, 15396; 16684, 16827; 21111, 21407

37417 189, 113367 1, 351; 65374, 65530; 108338, 113379; 115354, 116400

37417 85487, 113367 85315, 85512; 108338, 113379; 115354, 116400

37417 97392, 113367 97393, 97414; 108338, 113379; 115354, 116400

37418 51, 15515 1, 57; 7956, 8120; 8237, 8367; 11413, 11526; 13361, 13462; 15209, 17084

37418 51, 15515 1, 57; 7956, 8120; 8237, 8367; 11413, 11526; 13361, 1346

2;15209,17087

37419 359,19737 1,778;2004,2099;3749,3979;12273,12295;14903,15018;15151,15183;16729,16755;19326,19437;19718,19736

37419 359,19922 1,778;2004,2099;3749,3979;12273,12295;14903,15018;15151,15183;16729,16755;19326,19921

37419 359,19737 3,778;2004,2099;3749,3979;12273,12295;14903,15018;15151,15183;16729,16755;19326,19437;19718,20988

37419 359,19922 3,778;2004,2099;3749,3979;12273,12295;14903,15018;15151,15183;16729,16755;19326,20988

37420 194,26795 1,347;2770,3001;3770,3855;7589,7797;8968,9085;12350,12491;14556,14722;16171,16270;22944,23179;26781,28813

37420 194,24457 154,347;2770,3001;3770,3855;7589,7797;8968,9085;12350,12491;14556,14722;16171,16270;22944,23179;24374,24498;26781,27714

37421 29802,105683 1,116;26551,26646;29801,29966;33883,33955;41158,41281;44053,44251;103904,104029;105342,105599;105620,105682

37421 29802,134483 29,116;26551,26646;29801,29966;33883,33955;41158,41281;44053,44251;103904,104029;134414,134683;148512,148782

37421 26630,134483 32,116;26551,26646;29801,29966;33883,33955;41158,41281;44053,44251;103904,104029;134414,134683;148512,148782

37421 26630,34713 418,462;26551,26646;29801,29966;33883,33955;34705,34918;41158,41281;44053,44251;103904,104029;105342,105440;118584,118681;120739,120791;123509,123571;123675,123716;134414,134683;148512,148782

37421 26630,148634 504,556;26616,26646;29801,29966;33883,33955;41158,41281;44053,44251;103904,104029;105342,105440;118584,118681;120739,120791;123509,123571;123675,123716;134414,134683;148512,149247

37421 29802,148634 504,556;26616,26646;29801,29966;33883,33955;41158,41281;44053,44251;103904,104029;105342,105440;118584,118681;120739,120791;123509,123571;123675,123716;134414,134683;148512,149247

37421 26558,148634 9,116;26550,26646;29804,29966;33883,33955;41158,41281;44053,44251;103904,104029;105342,105440;118584,118681;120739,120791;123509,123571;123675,123716;134414,134683;148512,148774

37422 52,44230 1,173;11204,11333;15774,15832;18791,18929;31475,31640;33103,33174;37858,38040;39458,39582;40626,40689;42210,42281;44087,44831

37422 52,44099 3,173;11204,11333;15774,15832;18791,18929;31475,31640;32687,32758;37858,38040;39458,39582;40626,40689;42210,42281;44082,44829

37422 52,44230 3,173;11204,11333;15774,15832;18791,18929;31475,31640;32687,32758;37858,38040;39458,39582;40626,40689;42210,42281;44087,44829

37422 52,44099 3,173;11204,11333;15774,15832;18791,18929;31475,31640;33103,33174;37858,38040;39458,39582;40626,40689;42210,42281;44082,44829

37422 52,44230 3,173;11204,11333;15774,15832;18791,18929;31475,31640;33103,33174;37858,38040;39458,39582;40626,40689;42210,42281;44087,44829

37423 145,66178 1,161;13457,13556;46028,46163;46858,46967;47626,47681;49871,49976;50332,50528;53683,53869;54721,54807;55513,55644;55881,55937;58873,58938;60267,60441;61189,61244;62888,63045;66034,67815

37423 36453,66178 36139,36506;46028,46163;46858,46967;47626,47814;49871,49976;50332,50528;53683,53869;54721,54807;55513,55644;55881,55937;58873,58938;60267,60441;61189,61244;62888,63045;66034,67815

37423 36453,66178 36224,36506;46028,46163;46858,46967;47626,47814;49871,49976;50332,50528;53683,53869;54721,54807;55513,55644;55881,55937;58873,58938;60267,60441;61189,61244;62888,63045;64526,64873;66034,66178

37424 5147,9980 1,142;5125,5259;5784,5922;6429,6568;7066,7152;
 7366,7481;9100,9235;9511,9606;9685,9777;9904,11111
 37424 5147,9980 48,142;5125,5259;5784,5922;6429,6568;7066,7152
 ;7366,7481;9100,9235;9511,9606;9685,9777;9904,11115
 37424 5147,9980 48,142;5125,5259;5784,5922;6429,6613;7066,7152
 ;7366,7481;9100,9235;9511,9606;9685,9777;9904,11113
 37424 5147,9980 48,142;5125,5259;5784,5922;6429,6613;7066,7152
 ;7366,7481;9100,9235;9511,9606;9685,9777;9904,11115
 37424 5147,9980 5148,5259;5784,5922;6429,6613;7066,7152;7366,7
 481;9100,9235;9511,9606;9685,9777;9904,10199
 37425 179,2684 1,245;486,537;628,711;2156,2257;2348,2388;2514,
 3034
 37425 107,20544 1,245;486,537;628,767;925,936;2215,2253;2349,2
 388;2514,2533;2536,2553;2556,2635;20523,20544
 37425 179,2684 15,245;486,537;628,711;2156,2257;2348,2388;2514
 ,3036
 37426 1,65880 1,278;43619,43785;50311,50524;51272,51404;65856,
 68857
 37426 187,65957 7,278;43619,43785;50311,50524;51272,51404;5410
 0,54202;65856,68857
 37426 187,65880 7,278;43619,43785;50311,50524;51272,51404;6585
 6,68857
 37427 62,27742 1,161;24368,24605;26104,26249;27650,28433
 37427 62,31966 1,161;24368,24605;26104,26249;31748,35627
 37427 14246,27742 14222,14348;24368,24605;26104,26249;27650,27
 963
 37428 145,4118 13,496;670,896;2006,2202;2380,4323
 37428 145,4118 1,496;670,896;2006,2202;2380,4315
 37429 1,36385 1,17;6033,6091;6238,6392;6904,7013;11871,12062;1
 2241,12488;12565,12667;13069,13143;13240,13362;14201,14365;15056,15205;15320,154
 39;16366,16497;16582,16707;17368,17493;17988,18230;18695,18820;18909,19028;19901
 ,20032;20240,20365;20752,20874;21151,21282;23725,23856;23936,24024;24036,24060;2
 6182,26328;29236,29502;29785,29856;30439,30567;30771,30917;32692,32844;33810,341
 90;34540,34692;36231,36652
 37429 20777,26309 16582,16707;17368,17493;18695,18820;18909,19
 028;19901,20032;20240,20365;20752,20874;21151,21282;23936,24024;24027,24060;2618
 2,26328;29236,29502;29785,29856;30439,30567;30771,30917;32692,32844;33810,34190;
 34540,34692;36231,36652
 37429 1,36385 2,17;6033,6091;6238,6392;6904,7013;11871,12062;1
 2241,12488;12565,12667;13069,13143;13240,13362;14201,14365;15056,15205;15320,154
 39;16366,16497;16582,16707;17368,17493;17988,18230;18695,18818;18907,19028;19901
 ,20032;20240,20365;20752,20874;21151,21282;23725,23856;23936,24060;26182,26328;2
 9236,29502;29785,29856;30439,30567;30771,30917;32692,32844;33810,34190;34540,346
 92;36231,36652
 37429 4133,12016 4134,4216;6033,6091;6257,6392;6904,7013;11871
 ,12016
 37429 18777,34568 8228,8472;11870,12062;12241,12488;12565,1266
 7;13069,13143;13240,13362;14201,14365;15056,15205;15320,15439;16366,16497;16582,
 16707;17368,17493;17988,18230;18695,18820;18909,19028;19901,20032;20240,20365;20
 752,20874;21151,21282;26182,26328;29236,29502;29785,29856;30439,30567;30771,3091

7;32692,32844;33810,34190;34540,34692;36231,36466
 37430 11,9408 12,44;498,501;1339,1458;1553,1707;1918,1990;2345
 ,2543;2733,2756;9228,9420;9683,9873
 37430 11,9408 12,44;498,501;1339,1458;1553,1707;1918,1990;2345
 ,2543;3063,3225;4114,4322;4611,4637;9228,9420;9683,9902
 37430 11,9408 1,48;1339,1458;1553,1707;1918,1990;2345,2543;306
 3,3225;4114,4322;4611,4637;9228,9420;9683,9899
 37431 11,3814 11,83;102,637;1479,1561;1929,2085;2173,2334;2422
 ,2547;2862,3079;3507,3813
 37431 11,4121 1,637;1479,1561;1929,2085;2173,2334;2422,2547;28
 62,3079;3435,3809;4114,4478
 37432 17586,28969 1,211;6060,6146;8484,8642;11489,11546;13802,
 13901;15971,16101;17507,17621;19692,19769;27432,27550;27737,27827;28469,28564;28
 888,28981;30516,30667;32725,32885
 37432 13824,32833 1,211;6060,6146;8484,8642;11489,11546;13802,
 13901;15971,16101;17507,17621;27432,27550;27737,27827;28469,28564;28888,28981;30
 516,30667;32725,32885
 37432 8495,32833 1,211;6060,6146;8484,8642;11489,11546;13802,1
 3901;15971,16101;17507,17621;27432,27550;27737,27827;28469,28564;28888,28981;305
 16,30667;32725,34588
 37432 13824,32833 426,795;6060,6146;8484,8642;11489,11546;1380
 2,13901;15971,16101;17507,17621;27432,27550;27737,27827;28469,28564;28888,28981;
 30516,30667;32725,34606
 37432 792,32833 426,795;6060,6146;8484,8642;11489,11546;13802,
 13901;15971,16101;17507,17621;27432,27550;27737,27827;28469,28564;28888,28981;30
 516,30667;32725,34606
 37432 462,32833 426,795;6060,6150;8405,8406;8484,8639;11489,11
 546;13802,13901;15971,16101;17507,17621;27432,27550;27737,27827;28469,28564;2888
 8,28981;30516,30667;32725,34606
 37432 6026,32833 5976,6146;8484,8642;11489,11546;13802,13901;1
 5971,16101;17507,17621;27432,27550;27737,27827;28469,28564;28888,28981;30516,306
 67;32725,34588
 37433 339,39024 14,500;38215,38310;38940,39026;46638,46762;490
 06,49746
 37433 339,49112 14,500;46638,46762;49006,49746
 37433 339,39024 1,500;38215,38310;38940,39026;46638,46762;4900
 6,49746
 37433 339,49112 1,500;38215,38310;46638,46762;49006,49746
 37433 339,49112 1,500;46638,46762;49006,49746
 37434 84,22461 1,174;14717,14801;16117,16192;17037,17135;18695
 ,18818;21786,21889;22371,22510;23705,23785;24343,24480;27491,27572;29725,29850;3
 0608,30730;31584,31612;31994,32127;35434,35505;40469,40499;41499,41609;42795,446
 07;44656,46171
 37434 84,22461 1,174;14717,14801;16117,16192;17037,17135;18695
 ,18818;21786,21889;22371,22510;23705,23785;24343,24480;27491,27572;29725,29850;3
 0608,30730;31584,31612;31994,32127;35434,35506;40470,40499;41499,41609;42795,446
 07;44656,46171
 37434 84,42906 1,174;14717,14801;16117,16192;17037,17135;18695
 ,18818;21786,21889;23705,23785;24343,24480;27491,27572;29725,29850;30608,30730;3
 1584,31612;31994,32127;35434,35591;40330,40499;41499,41609;42795,44607;44656,461

71

37435 84,11336 1,225;489,541;2447,2560;3564,3683;6637,6729;959
 2,9745;10939,10945;11212,11336
 37435 84,11336 1,225;489,541;2447,2560;3564,3683;6637,6729;959
 2,9748;11208,12097
 37435 84,11336 1,225;489,541;2447,2560;3564,3683;9592,9745;109
 39,10945;11212,11336
 37435 84,11336 1,225;489,541;2447,2560;3564,3683;9592,9748;112
 08,12097
 37436 55,60252 1,128;17982,18105;20152,20330;23723,23866;28450
 ,28601;43932,44113;53776,53944;54910,55091;56992,57143;60107,64294
 37437 0,13619 1,144;2041,2091;2096,2119;2124,2130;3373,3598;97
 03,9842;11735,11821;13495,13619
 37438 355,15989 1,40;338,393;738,846;1429,1512;1579,1632;2586,
 2706;3307,3353;3599,3671;3938,4153;5027,5159;15980,15989
 37438 1587,5943 1570,1632;2586,2706;3307,3353;3599,3671;3938,4
 153;5027,5159;5555,6127
 37438 355,5279 26,40;338,393;738,846;1429,1632;2586,2706;3307,
 3353;3599,3671;3938,4153;5027,5159;5270,5279
 37438 1587,5943 3,40;338,393;738,846;1429,1632;2586,2706;3307,
 3353;3599,3671;3938,4011;4014,4153;5027,5159;5555,5683;5686,6121
 37438 1587,5943 48,393;738,1632;2586,2706;3307,3353;3599,3671;
 3938,4011;4014,4153;5027,5159;5555,5683;5686,6127
 37439 171,26035 1,206;8695,8802;24474,24597;25847,27383
 37439 171,18331 1,206;938,964;8695,8802;18211,18765
 37439 171,25099 1,206;938,964;8695,8802;24474,24597;25082,2518
 2;25847,27383
 37439 171,26035 1,206;938,964;8695,8802;24474,24597;25847,2738
 3
 37439 171,24708 1,206;938,964;8695,8802;24474,24707
 37439 171,96307 1,206;938,964;8695,8802;96226,96336
 37439 171,96307 1,91;103,206;938,964;8695,8802;96226,96336
 37439 171,26035 40,206;8695,8802;24474,24597;25847,26966
 37439 171,26035 40,206;938,964;8695,8802;24474,24597;25847,269
 66
 37440 262660,391429 100042,100222;186151,186276;262659,262727;
 272645,272725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325
 014;327475,327599;334277,334360;354980,355067;358515,358612;364969,365082;370650
 ,370746;381923,382082;384403,384492;386235,386403;388753,388885;391412,391460;39
 4449,398085
 37440 262660,391429 1,198;186151,186276;262659,262727;272645,2
 72725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325014;3274
 75,327599;334277,334360;344778,344855;345429,345521;354980,355067;358515,358612;
 364969,365082;370650,370746;381923,382082;384403,384492;386235,386403;388753,388
 885;391412,391460;394449,398085
 37440 262660,335755 1,198;186152,186276;262660,262727;272645,2
 72725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325014;3274
 75,327599;331951,331959;334277,334360;335725,336012
 37440 262660,372845 1,198;186152,186276;262660,262727;272645,2
 72725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325014;3274

75,327599;331951,331959;334277,334360;354980,355067;358515,358612;364969,365082;
370650,370746;372795,374089
37440 262660,391429 1,198;186152,186276;262660,262727;272645,2
72725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325014;3274
75,327599;331951,331959;334277,334360;354980,355067;358515,358612;364969,365082;
370650,370746;381923,382082;384403,384492;386235,386403;388753,388885;391412,391
460;394450,398085
37440 262660,372845 216956,217129;262660,262727;272645,272725;
300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325014;327475,327
599;334277,334360;344778,344855;345429,345521;354980,355067;358515,358612;364969
,365082;370650,370746;372795,374089
37440 262660,391429 216968,217129;236146,236230;262659,262727;
272645,272725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325
014;327475,327599;334277,334360;344778,344855;345429,345521;354980,355067;358515
,358612;364969,365082;370650,370746;381923,382082;384403,384492;386235,386403;38
8753,388885;391412,391460;394449,398085
37440 262660,372845 216968,217129;236147,236230;262660,262727;
272645,272725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325
014;327475,327599;331951,331959;334277,334360;344778,344855;345429,345521;354980
,355067;358515,358612;364969,365082;370650,370746;372795,374089
37440 262660,391429 216968,217129;236147,236230;262660,262727;
272645,272725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325
014;327475,327599;331951,331959;334277,334360;344778,344855;345429,345521;354980
,355067;358515,358612;364969,365082;370650,370746;381923,382082;384403,384492;38
6235,386403;388753,388885;391412,391460;394450,398085
37440 262660,372845 216968,217129;236147,236230;262660,262727;
272645,272725;300721,300934;312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325
014;327475,327599;334277,334360;344778,344855;345429,345521;354980,355067;358515
,358612;364969,365082;370650,370746;372795,374089
37440 262660,335755 262661,262727;272645,272725;300721,300934;
312903,312988;318643,318797;322593,322698;324848,325014;327475,327599;334277,334
360;335725,335755
37440 327552,391429 325052,325331;327475,327599;334277,334360;
344778,344855;354980,355067;358515,358612;364969,365082;370650,370746;381923,382
082;384403,384492;386235,386403;388753,388885;391412,391460;394450,398085
37440 327552,372845 325052,325331;327475,327599;334277,334360;
354980,355067;358515,358612;364969,365082;370650,370746;372795,374089
37441 49291,379762 1,116;49291,49364;67935,68114;152085,152220
;162627,162787;169723,169902;210292,210368;253331,253488;260361,260448;263104,26
3258;263903,264016;266210,266384;279159,279292;285414,285685;299663,299733;31021
6,310407;344777,344890;346942,347103;359065,359243;360363,360435;367855,367923;3
70427,370600;372808,372969;376508,376604;379719,379798;380503,382432
37441 151963,379762 151815,152220;162627,162787;169723,169902;
210292,210368;253331,253488;260361,260448;263104,263258;263903,264016;266210,266
384;279159,279292;285414,285685;299663,299733;310216,310407;344777,344890;346942
,347103;359065,359243;360363,360435;367855,367923;370427,370600;372808,372969;37
6508,376604;379719,379798;380503,384797
37441 49291,379762 42,116;49291,49364;67935,68114;152085,15222
0;162627,162787;169723,169902;210292,210368;253331,253488;260361,260448;263104,2
63258;263903,264016;266210,266384;279159,279292;285414,285685;299663,299733;3102

16,310407;344777,344890;346942,347103;367855,367923;370427,370600;372808,372969;
376508,376604;379719,379798;380503,381173

37442 32632,138427 1,163;32467,32652;124577,124621;125637,125738;
125873,125976;129127,129215;129731,129801;129919,130048;132667,132746;135852,
135962;138370,138741

37442 118172,138427 118172,118192;124577,124621;125637,125738;
125873,125976;129127,129215;129731,129801;129919,130048;132667,132746;135852,135
962;138370,138741

37442 123319,138427 123216,123321;124577,124621;125637,125738;
125873,125976;129127,129215;129731,129801;129919,130048;132667,132746;135852,135
962;138370,138741

37443 4337,8933 1,169;4288,4492;4602,4752;4934,5090;5216,5337;
5429,5506;6106,6243;6589,6699;6922,7020;7279,7359;7458,7574;7764,7824;7949,8036;
8145,8238;8787,9320

37443 4337,8218 373,428;4288,4492;4602,4752;4934,5090;5216,533
7;5429,5506;6106,6243;6589,6699;6922,7020;7279,7359;7458,7574;7764,7824;8145,823
8;8787,9320

37444 14816,300262 1,285;14691,15838;113268,113417;121194,1213
34;209585,209618;300113,300312

37444 14816,429077 1,285;14691,15838;113268,113417;121194,1213
34;209585,209618;399230,399301;404064,404145;412034,412097;414117,415540;416312,
416488;419642,419801;419930,420128;422062,422275;423455,423569;424417,424635;426
183,426400;428424,428597;428956,431524

37444 381907,429077 381587,381943;399230,399301;404064,404145;
412034,412097;414117,415540;416312,416488;419642,419801;419930,420128;422062,422
275;423455,423569;424417,424635;426183,426400;428424,428597;428956,431524

37445 215,2273 1,278;596,809;1159,1515;1647,1855;1971,2934

37445 745,2273 8,278;596,809;1159,1515;1647,1855;1971,2114;211
7,2182;2187,2934

37445 215,2273 8,278;596,809;1159,1515;1647,1855;1971,2937

37446 178,2120 1,325;558,744;1063,1254;1675,2375

37447 23783,57513 1607,1671;23724,24253;27364,27411;28728,2878
1;29620,29671;34370,34503;37954,37990;42505,42526;42671,42759;44837,45036;45595,
45648;48275,48348;48435,48522;49575,49703;53069,53169;57440,60615

37447 23783,54186 1,770;23724,24253;27364,27411;28728,28781;29
620,29671;34370,34503;37954,37990;42505,42526;42671,42759;44837,45036;45595,4564
8;48275,48348;48435,48522;49575,49703;53069,53169;53694,53736;54180,54720

37447 557,54186 1,770;23724,24253;27364,27411;28728,28781;2962
0,29671;34370,34503;37954,37990;42505,42526;42671,42759;44837,45036;45595,45648;
48275,48348;48435,48522;49575,49703;53069,53169;53694,53736;54180,54720

37447 23783,57611 1,770;23724,24253;27364,27411;28728,28781;29
620,29671;34370,34503;37954,37990;42505,42526;42671,42759;44837,45036;45595,4564
8;48275,48348;48435,48522;49575,49703;53069,53169;53694,53736;57440,60615

37447 23783,57513 1,770;23724,24253;27364,27411;28728,28781;29
620,29671;34370,34503;37954,37990;42505,42526;42671,42759;44837,45036;45595,4564
8;48275,48348;48435,48522;49575,49703;53069,53169;57440,60615

37447 23783,54186 1,770;23724,24253;27364,27411;28728,28781;29
620,29671;34370,34503;37954,37990;42505,42526;42671,42759;44837,45036;45595,4564
8;48275,48348;48435,48522;53069,53169;53694,53736;54180,54720

37447 23783,57611 1,770;23724,24253;27364,27411;28728,28781;29

620,29671;34370,34503;37954,37990;42505,42526;42671,42759;44837,45036;45595,4564
 8;48275,48348;48435,48522;53069,53169;53694,53736;57440,60615
 37447 23783,57513 1,770;23724,24253;27364,27411;28728,28781;29
 620,29671;34370,34503;37954,37990;42505,42526;42671,42759;44837,45036;45595,4564
 8;48275,48348;48435,48522;53069,53169;57440,60615
 37448 4875,5301 1,85;2576,2684;2902,7169
 37448 8596,34646 4473,5402;6380,6509;8500,8619;10035,10168;193
 26,19401;34559,34889
 37448 8084,8531 6837,9747;10035,10168;19326,19401;34559,34889
 37449 130,14893 1,208;556,629;1780,1866;5021,5082;5163,5256;53
 42,5391;9295,9418;9855,9947;10912,10976;11668,11731;12920,13026;14850,15378
 37449 130,14893 40,208;556,629;1780,1866;5021,5082;5163,5256;5
 342,5391;9295,9418;9855,9947;10912,10976;11668,11731;12920,13026;14850,15372
 37450 60,10554 1,133;4324,4502;6317,6431;8117,8256;9702,9770;1
 0477,12424
 37451 0,6786 1,60;6667,6786
 37452 212,330751 1,273;100915,100987;114636,114697;135697,1357
 81;237537,237626;261945,262004;276692,276758;277484,277554;284213,284280;290151,
 290199;302429,302464;304332,304386;308531,308601;310618,310696;313796,313824;322
 571,322669;330721,331401
 37453 33,29655 1,106;10399,10469;18687,18742;22507,22672;23205
 ,23331;24883,25083;27916,27997;28737,28865;29496,30121
 37453 35,29655 35,76;81,106;10399,10469;18687,18742;22507,2267
 2;23205,23331;24883,25083;27916,27997;28737,28865;29496,29816
 37454 73,111840 1,128;2506,2605;37842,37998;41321,41398;45451,
 45527;51064,51131;52234,52347;53238,53416;55126,55210;60305,60468;61291,61375;64
 507,64670;64864,65024;66160,66284;67884,68047;77733,77823;78001,78168;79182,7932
 4;84572,84742;85447,85530;85628,85699;85796,85865;86217,86425;88395,88550;88799,
 88962;89397,89621;93692,93832;93929,94013;95093,95325;95952,96084;97762,97864;98
 686,98821;99227,99314;103065,103277;104277,104443;106445,106567;108964,109072;11
 1727,113970
 37455 173752,180392 1,16;173749,174014;175553,175684;176482,17
 6731;177153,177285;178219,178353;178441,178544;178640,178764;179083,179195;17930
 8,179445;179522,179624;179711,179811;179897,180067;180252,180572
 37455 173752,180392 173115,174014;175553,175684;176482,176731;
 177153,177285;178219,178353;178441,178544;178640,178764;179083,179195;179308,179
 445;179522,179624;179711,179811;179897,180067;180252,181763
 37455 177422,180392 177423,178208;178213,178353;178441,178544;
 178640,178764;179083,179270;179275,179517;179522,179710;179713,179811;179897,180
 067;180252,181763
 37456 30,7246 1,96;1868,1992;2091,2298;2382,2452;2555,2642;418
 2,4361;4483,4604;4703,4865;4961,5079;5182,5323;5480,5601;5710,5851;5946,6041;622
 8,6375;6665,6782;7216,8855
 37456 30,7246 1,96;1868,1992;2091,2298;2382,2452;2555,2642;418
 2,4361;4483,4604;4703,4865;4961,5079;5182,5323;5480,5601;5710,5851;5946,6041;622
 8,6375;6665,6782;7216,8863
 37457 19279,43066 1,127;10111,10160;19190,19321;19683,19852;20
 605,20817;24266,24376;25946,26081;27968,28043;28123,28300;32030,32180;34014,3415
 0;34493,34666;38501,38615;39971,40136;42891,46582
 37457 19279,43066 19185,19321;19683,19852;20605,20817;24266,24

376;25946,26081;27968,28043;28123,28300;32030,32180;34014,34150;34493,34666;38501,38615;39971,40136;42891,46791

37458 31433,101139 1,365;31429,31532;33276,33414;41262,41396;42548,42731;42907,42935;47467,47521;48692,48735;53334,53411;57148,57207;59185,59241;61169,61231;71095,71205;72538,72603;74791,74974;76236,76294;77774,77845;78813,78996;80358,80416;85759,85830;87068,87251;88193,88251;88647,88721;90323,90424;91333,91398;91576,91759;93664,93719;94393,94473;95397,95480;96149,96332;97812,97840;99123,99164;100263,100304;101081,101156;101849,102993

37458 31433,101139 1,365;31429,31532;33276,33414;41262,41396;42548,42731;42907,42935;47467,47521;48692,48735;53334,53411;57148,57207;59185,59241;71095,71205;72538,72603;74791,74974;76236,76294;77774,77845;78813,78996;80358,80416;85759,85830;87068,87251;88193,88251;88647,88721;90323,90424;91333,91398;91576,91759;93664,93719;94393,94473;95397,95480;96149,96332;97812,97840;99123,99164;100263,100304;101081,101156;101849,102993

37458 31433,101139 1,365;31429,31532;33276,33414;41262,41396;42548,42731;42907,42935;47467,47521;48692,48735;53334,53411;59185,59241;61169,61231;71095,71205;72538,72603;74791,74974;76236,76294;77774,77845;78813,78996;80358,80416;85759,85830;87068,87251;88193,88251;88647,88721;90323,90424;91333,91398;91576,91759;93664,93719;94393,94473;95397,95480;96149,96332;97812,97840;99123,99164;100263,100304;101081,101156;101849,102993

37458 31433,101139 1,365;31429,31532;33276,33414;41262,41396;42548,42731;42907,42935;47467,47521;48692,48735;53334,53411;59185,59241;71095,71205;72538,72603;74791,74974;76236,76294;77774,77845;78813,78996;80358,80416;85759,85830;87068,87251;88193,88251;88647,88721;90323,90424;91333,91398;91576,91759;93664,93719;94393,94473;95397,95480;96149,96332;97812,97840;99123,99164;100263,100304;101081,101156;101849,102993

37459 73,211086 1,175;30256,30405;33408,33476;60784,60876;63320,63394;67566,67694;69812,69844;70443,70499;71011,71058;71524,71556;76081,76122;76441,76497;80717,80761;95425,95466;130415,130500;137586,137672;147126,147276;151564,151700;158422,158520;161324,161413;166236,166373;188332,188467;196321,196412;196783,196916;210935,211183

37459 24756,88172 24638,24771;30256,30405;31961,32005;33408,33476;60784,60876;63320,63394;67566,67694;69812,69844;70443,70499;71011,71058;71524,71556;76081,76122;76441,76497;80717,80761;88164,89908

37459 24756,49194 24658,24771;30256,30405;33408,33476;46174,46210;48838,49719

37459 24756,49194 24658,24771;30256,30405;33408,33476;46169,46210;48838,49719

37459 24756,49194 24717,24771;30256,30405;31961,32005;33408,33476;46174,46210;48838,49719

37459 24756,49194 24717,24771;30256,30405;31961,32005;33408,33476;46169,46210;48838,49719

37459 73,88172 62,175;30256,30405;33408,33476;60784,60876;63320,63394;67566,67694;69812,69844;70443,70499;71011,71058;71524,71556;76081,76122;76441,76497;80717,80761;88164,89899

37460 14707,50557 1,58;9391,9463;14591,14802;29969,30022;37738,37855;39142,39268;47171,47249;47548,47630;50475,50955

37460 14707,50557 22,58;14591,14802;29969,30022;37738,37855;39142,39268;47171,47249;47548,47630;50475,50955

37460 14707,50557 22,58;14591,14802;29969,30022;37738,37855;39142,39268;47171,47249;47548,47630;50475,50955

142,39268;47171,47249;47548,47630;50475,50960

37460 14707,50557 46,202;514,650;14591,14802;29969,30022;37738
,37855;39142,39268;47171,47249;47548,47630;50475,50955

37460 14707,50557 58,202;514,650;14591,14802;29969,30022;37738
,37855;39142,39268;47171,47249;47548,47630;50475,50955

37461 434,90464 1,501;37706,37871;41405,41538;47963,48031;5096
6,51196;57877,58005;59252,59377;62213,62326;62802,62918;65643,65771;67243,67374;
69236,69337;71096,71185;72377,72580;75983,76045;80447,80518;82785,82863;90260,93
521

37461 434,90464 1,501;37706,37871;41405,41538;47963,48031;5096
6,51196;57877,58005;59252,59377;62213,62326;62802,62918;65643,65771;67243,67374;
69236,69337;71096,71185;72377,72580;75983,76045;80447,80518;82785,82863;90260,93
532

37461 434,90464 1,501;37706,37871;41405,41538;47963,48031;5096
6,51196;59252,59377;62213,62326;62802,62918;65643,65771;67243,67374;69236,69337;
71096,71185;72377,72580;75983,76045;80447,80518;82785,82863;90260,93521

37461 434,90464 1,501;37706,37871;41405,41538;47963,48031;5096
6,51196;59252,59377;62213,62326;62802,62918;65643,65771;67243,67374;69236,69337;
71096,71185;72377,72580;75983,76045;80447,80518;82785,82863;90260,93532

37461 434,90464 1,501;37706,37871;41405,41538;47963,48031;5096
6,51196;69236,69337;71096,71185;72377,72580;75983,76045;80447,80518;82785,82863;
90260,93521

37461 434,90464 1,501;37706,37871;41405,41538;47963,48031;5096
6,51196;69236,69337;71096,71185;72377,72580;75983,76045;80447,80518;82785,82863;
90260,93532

37461 434,90464 1,501;37706,37871;41405,41538;47963,48031;5096
6,51196;75983,76045;80447,80518;82785,82863;90260,93521

37461 434,90464 1,501;37706,37871;41405,41538;47963,48031;5096
6,51196;75983,76045;80447,80518;82785,82863;90260,93532

37461 434,90418 1,501;37706,37871;82836,82863;90260,93521

37461 434,90418 1,501;37706,37871;82836,82863;90260,93532

37461 434,16184 435,505;16169,16184

37462 0,34438 1,410;5080,5194;5354,5527;8311,8417;9729,9816;98
19,9862;12324,12394;17688,17825;19856,20015;32279,32351;32354,32401;34244,34438

37463 79403,82021 1,28;79374,79589;79768,79898;81364,83016

37463 64866,67440 64143,64948;65105,65142;65343,65425;66213,66
292;67283,67847

37463 65309,67440 64480,64574;64729,64948;65105,65425;66213,66
292;67283,67606

37464 284,41573 1,299;716,837;12964,13054;17811,17958;19059,19
239;28209,28286;28577,28657;29010,29243;32420,32509;33774,33928;35506,35593;3794
9,38059;39024,39197;39502,39646;41466,42610

37464 284,41573 1,299;716,837;28209,28286;28577,28657;29010,29
243;32420,32509;33774,33928;35506,35593;37949,38059;39024,39197;39502,39646;4146
6,42610

37464 17868,19202 17868,17936;17939,17958;19059,19137;19142,19
201

37465 0,518 1,52;217,518

37465 260292,388363 260210,260338;260491,260628;385203,385475;
387338,387382;388257,388364;389306,389846

37465 300714,302064 260293,260338;260491,260788;286854,286875;
287830,287887;300680,300958;301522,301587;301952,302070
37466 11177,39328 11177,11267;39233,39327
37466 11177,54996 1,367;428,642;11089,11267;38675,38941;40188,
40277;40530,40702;42378,42501;43924,44114;46682,46826;48888,49084;50250,50395;50
632,50753;51207,51317;52563,52753;53722,53844;53994,54064;54334,54471;54600,5470
5;54819,55754
37466 11177,54996 25,642;11089,11267;38675,38941;40188,40271;4
0530,40702;42378,42501;43924,44114;46682,46826;48888,49084;49428,49433;50250,503
95;50632,50753;51207,51317;52563,52753;53722,53844;53994,54064;54334,54471;54600
,54705;54819,55896
37466 11177,39328 5,642;11089,11267;38675,38941;39233,39376;40
188,40271;40530,40702;42378,42444
37466 11177,54996 5,642;11089,11267;38675,38941;40188,40271;40
530,40702;42378,42501;43924,44114;46682,46826;48888,49090;50250,50395;50632,5075
3;51207,51317;52563,52753;53722,53844;53994,54064;54334,54471;54600,54705;54819,
55849
37466 11177,54996 5,642;11089,11267;38675,38941;40188,40277;40
530,40702;42378,42501;43924,44114;46682,46826;48888,49084;50250,50395;50632,5075
3;51207,51317;52563,52753;53722,53844;53994,54064;54334,54471;54600,54705;54819,
55849
37466 11177,54996 5,642;11089,11267;38675,38941;40188,40277;40
530,40702;42378,42501;43924,44114;46682,46826;48888,49090;50250,50395;50632,5075
3;51207,51317;52563,52753;53722,53844;53994,54064;54334,54418;54658,54705;54819,
55849
37466 11177,54996 5,642;11089,11267;38675,38941;40188,40277;40
530,40702;42378,42501;43924,44114;46682,46826;48888,49090;50250,50395;50632,5075
3;51207,51317;52563,52753;53722,53844;53994,54064;54334,54471;54600,54705;54819,
55849
37466 11177,54996 5,642;11089,11267;38675,38941;40188,40277;40
530,40702;42378,42501;43924,44114;46682,46826;48888,49090;50250,50395;50632,5075
3;51207,51317;52563,52778;53722,53844;53994,54064;54334,54471;54600,54705;54819,
55849
37466 11177,54996 5,642;11089,11267;40188,40271;40530,40702;42
378,42501;43924,44114;46682,46826;48888,49090;50250,50395;50632,50753;51207,5131
7;52563,52753;53722,53844;53994,54064;54334,54471;54600,54705;54819,55849
37466 11177,44355 5,642;11089,11267;40188,40271;40530,40702;42
378,42501;43924,45288
37466 11177,54996 5,642;11089,11267;40188,40277;40530,40702;42
378,42501;43924,44114;46682,46826;48888,49084;49428,49433;50250,50395;50632,5075
3;51207,51317;52563,52753;53722,53844;53994,54064;54334,54471;54600,54705;54819,
55849
37466 11177,54996 5,642;11089,11267;40188,40277;40530,40702;42
378,42501;43924,44114;46682,46826;48888,49090;50250,50395;50632,50753;51207,5131
7;52563,52753;53722,53844;53994,54064;54334,54471;54600,54705;54819,55849
37466 11177,44355 5,642;11089,11267;40188,40277;40530,40702;42
378,42501;43924,45288
37467 16852,39786 1,215;1443,1533;2150,2272;16845,16937;24441,
24514;25394,25471;26946,27135;27393,27558;28310,28354;28799,28907;29021,29116;29
369,29461;31799,31924;33363,33427;33927,33990;34800,34949;35389,35459;35818,3590

5;35992,36144;36860,37024;37831,37892;38124,38235;39109,39208;39288,39393;39642,40182

37467 16852,39786 13456,13484;16845,16937;24441,24514;25394,25471;26946,27135;27393,27558;28310,28354;28799,28907;29021,29116;31799,31924;33363,33427;33927,33990;34800,34949;35389,35459;35818,35905;35992,36144;36860,37024;37831,37892;38124,38235;39109,39208;39288,39393;39642,40182

37467 16852,39786 16843,16937;24441,24514;25394,25471;26946,27135;27393,27558;28310,28354;28799,28907;29021,29116;29369,29461;31799,31924;33363,33427;33927,33990;34800,34949;35389,35459;35818,35905;35992,36144;36860,37024;37831,37892;38124,38235;39109,39208;39288,39393;39642,40182

37467 16852,39786 184,215;1443,1533;2150,2272;12560,12655;16845,16937;24441,24514;25394,25471;26946,27135;27393,27558;28310,28354;28799,28907;29021,29116;29369,29461;31799,31924;33363,33427;33927,33990;34800,34949;35389,35459;35818,35905;35992,36144;36860,37024;37831,37892;38124,38235;39109,39208;39288,39393;39642,40182

37468 81,4041 1,163;2579,2824;3316,3597;3887,4052;4783,5175

37468 81,4041 18,163;2579,2824;3316,3597;3887,4052;4783,5177

37469 2729,8874 1048,1592;1712,1791;2052,2216;2402,2782;3090,3227;3515,3664;3857,3971;4060,4191;4421,4504;5638,6031;6335,6418;7464,7632;8404,8513;8672,9024

37469 511,8874 1,541;1712,1791;2052,2216;2402,2526;2602,2782;3090,3227;3515,3664;3857,3971;4060,4191;4421,4504;5638,6031;6335,6418;7464,7632;8404,8513;8672,9024

37469 2113,5984 2113,2139;3665,3674;5829,5983

37469 511,8874 429,541;1712,1791;2052,2216;2402,2526;2602,2782;3090,3227;3515,3664;3857,3971;8689,8873

37470 246,149498 1,334;123255,123406;124274,124457;127575,127709;132263,132331;133515,133633;134980,135121;136799,136915;137502,137628;137728,137801;138632,138722;141108,141307;142468,142600;144702,144792;146249,146406;149492,149604

37470 246,151513 1,334;123255,123406;124274,124457;127575,127709;132263,132331;133515,133633;134980,135121;136799,136915;137502,137628;137728,137801;138632,138722;141108,141307;142468,142600;144702,144792;146249,146406;151276,152014

37470 246,186586 1,334;123255,123406;124274,124457;127575,127709;132263,132331;133515,133633;134980,135121;136799,136915;137502,137628;137728,137801;138632,138722;141108,141307;142468,142600;144702,144792;146249,146406;152144,152182;153952,154093;154890,155012;155691,155789;162262,162447;172688,172843;173735,173810;179686,179832;181285,181382;182157,182324;182704,182751;183486,183594;186225,188306

37470 246,137812 1,334;123255,123406;124274,124457;127575,127709;132263,132331;133515,133633;134980,135121;136799,136915;137502,137628;137728,137918

37471 141,21458 1,255;1339,1464;14297,14430;16875,16992;18181,18251;18510,18585;19527,19589;19888,19957;21376,21502;23208,23404

37471 1374,28473 1375,1464;14297,14430;16875,16992;18181,18251;18510,18585;19527,19589;19888,19957;28402,28409;28414,28473

37471 5761,27255 5751,6019;14297,14430;16875,16992;18181,18251;19025,19100;19527,19589;19888,19957;27182,27943

37471 5995,28484 5996,6019;14297,14430;16875,16992;18181,18251

;18510,18585;19527,19589;19888,19957;28402,28633;29208,29224
37471 141,28484 63,255;1339,1464;14297,14430;16875,16992;18181
,18251;18510,18585;19527,19589;19888,19957;28402,29224
37471 69,28484 70,255;1018,1143;14297,14430;16875,16992;18181,
18251;19025,19100;19527,19589;19888,19957;28402,29217
37472 141,21458 1,255;1339,1464;14297,14430;16875,16992;18181,
18251;18510,18585;19527,19589;19888,19957;21376,21502;23208,23404
37472 1374,28473 1375,1464;14297,14430;16875,16992;18181,18251
;18510,18585;19527,19589;19888,19957;28402,28409;28414,28473
37472 5761,27255 5751,6019;14297,14430;16875,16992;18181,18251
;19025,19100;19527,19589;19888,19957;27182,27943
37472 5995,28484 5996,6019;14297,14430;16875,16992;18181,18251
;18510,18585;19527,19589;19888,19957;28402,28633;29208,29224
37472 141,28484 63,255;1339,1464;14297,14430;16875,16992;18181
,18251;18510,18585;19527,19589;19888,19957;28402,29224
37472 69,28484 70,255;1018,1143;14297,14430;16875,16992;18181,
18251;19025,19100;19527,19589;19888,19957;28402,29217
37473 561,145274 111,252;420,755;38243,38344;47567,47691;53024
,53104;62861,63075;65506,65580;67110,67261;69364,69474;76479,76590;79231,79398;8
1907,82100;89435,89551;95831,95979;99005,99146;99764,99860;104084,104200;106375,
106554;109778,109917;112419,112592;113208,113353;113789,113951;114826,114959;115
420,115591;118457,118588;120102,120244;121224,121362;121821,121958;123610,123743
;124671,124835;125636,125789;132509,132696;134238,134427;135399,135554;136812,13
6971;138717,138847;139954,140047;140515,140634;145128,145836
37473 561,145274 1,269;420,755;38243,38344;47567,47691;53024,5
3104;62861,63075;65506,65601;67110,67261;69364,69474;76479,76590;79231,79398;819
07,82100;89435,89551;95831,95979;99005,99146;99764,99860;104084,104200;106375,10
6554;109778,109917;112419,112592;113208,113353;113789,113951;114826,114959;11542
0,115591;118457,118588;120102,120244;121224,121362;121821,121958;123610,123743;1
24671,124835;125636,125789;132509,132696;134238,134427;135399,135554;136812,1369
71;138717,138847;139954,140047;140515,140634;145128,145845
37473 561,40735 561,755;38243,38344;40642,40734
37474 87,32878 1,167;6106,6268;10142,10263;12480,12758;13318,1
3500;14903,15118;19316,19450;27181,27310;27830,27940;29716,29840;32413,32489;328
59,32913;34059,34676
37474 87,32878 1,167;6106,6268;10142,10263;12480,12758;13318,1
3500;14903,15118;19316,19450;27181,27310;27830,27940;29716,29840;32413,32489;328
59,32913;34059,34679
37474 87,34063 1,167;6106,6268;10142,10263;12480,12758;13318,1
3500;14903,15118;19316,19450;27181,27310;27830,27940;29716,29840;32413,32518;328
59,32913;34059,34679
37474 87,32593 1,167;6106,6268;10142,10263;12480,12758;13318,1
3500;14903,15118;19316,19450;27181,27310;27830,27940;29716,29840;32413,34676
37474 87,32593 1,167;6106,6268;10142,10263;12480,12758;13318,1
3500;14903,15118;19316,19450;27181,27310;27830,27940;29716,29840;32413,34679
37475 87,32878 1,167;6106,6268;10142,10263;12480,12758;13318,1
3500;14903,15118;19316,19450;27181,27310;27830,27940;29716,29840;32413,32489;328
59,32913;34059,34676
37475 87,32878 1,167;6106,6268;10142,10263;12480,12758;13318,1
3500;14903,15118;19316,19450;27181,27310;27830,27940;29716,29840;32413,32489;328

59,32913;34059,34679

37475 87,34063 1,167;6106,6268;10142,10263;12480,12758;13318,1
3500;14903,15118;19316,19450;27181,27310;27830,27940;29716,29840;32413,32518;328
59,32913;34059,34679

37475 87,32593 1,167;6106,6268;10142,10263;12480,12758;13318,1
3500;14903,15118;19316,19450;27181,27310;27830,27940;29716,29840;32413,34676

37475 87,32593 1,167;6106,6268;10142,10263;12480,12758;13318,1
3500;14903,15118;19316,19450;27181,27310;27830,27940;29716,29840;32413,34679

37476 101,35081 1,110;3700,3879;9210,9452;14242,14360;17210,17
338;18405,18582;23100,23235;23914,24017;25645,25887;26914,27186;32799,32959;3407
0,34206;34930,36835

37476 5,35081 1,110;3700,3879;9210,9452;14242,14360;17210,1733
8;18405,18582;23100,23235;23914,24017;25645,25887;26914,27186;32799,32959;34070,
34206;34930,36835

37476 101,27219 1,110;3700,3879;9210,9452;14242,14360;17210,17
338;18405,18582;23100,23235;23914,24017;25645,25887;26914,27350

37477 1391,131012 1,125;1371,1515;41314,41420;100643,100779;10
2046,102156;112544,112633;128019,128234;130886,134141

37477 819,131012 24,900;1371,1515;41314,41420;100643,100779;10
2046,102156;112544,112633;128019,128234;130886,131092

37477 891,131012 351,900;1371,1515;41314,41420;100643,100779;1
02046,102156;112544,112633;128019,128234;130886,134141

37478 28072,114374 1,260;28005,28193;48974,49530;64406,64530;6
6936,67149;67806,68003;70701,70804;74781,74841;83458,83562;86413,87348;91332,913
89;97047,97130;99629,99785;107600,107759;110896,111081;112031,112093;114363,1164
60

37478 28072,114374 1,260;28005,28193;48974,49530;64406,64530;6
6936,67149;67806,68003;70701,70804;74781,74841;86413,87348;91332,91389;97047,971
30;99629,99785;107600,107759;110896,111081;112031,112093;114363,116460

37478 28072,114374 1,260;28006,28193;48974,49530;64406,64530;6
6936,67149;67806,68003;70701,70804;74781,74841;83458,83562;86413,87348;91332,913
89;97047,97130;99629,99785;107600,107759;110896,111081;112031,112093;114363,1164
60

37478 28072,114374 1,260;28006,28193;48974,49530;64406,64530;6
6936,67149;67806,68003;70701,70804;74781,74841;86413,87348;91332,91389;97047,971
30;99629,99785;107600,107759;110896,111081;112031,112093;114363,116460

37479 60,43921 1,266;4519,4598;5395,5504;6369,6561;10331,10397
;15008,15109;16677,16867;20972,21053;21728,21817;23903,24084;25169,25304;31941,3
2015;32582,32703;33792,33899;33976,34123;42537,42699;43709,44042

37479 6335,23976 6169,6561;10331,10397;15008,15109;16677,16867
;23903,24084;25169,25304;31941,32015;32582,32703;33792,34123;42389,42430;42537,4
2699;43709,44042

37480 177,23767 1,363;6237,6283;18493,18610;18822,18933;20008,
20061;23595,24085

37480 177,23767 1,363;6237,6283;18493,18610;18822,18933;23595,
24085

37481 69,12389 1,71;4693,4842;11257,11370;12036,12095;12287,12
668

37481 69,12389 1,71;4693,4842;12036,12095;12287,12668

37482 243,24858 1,330;7504,7684;9454,9659;13609,13747;16291,16

496;16647,16805;20341,20492;22598,22754;23277,23510;24442,25587

37483 132,190402 1,316;4104,4154;11904,12001;14206,14307;16359
 ,16505;20391,20446;29528,29660;45696,45741;48803,48935;53814,53950;55547,55607;5
 7647,57721;62779,62873;118163,118319;132084,132141;137607,137636;141486,141571;1
 48590,148670;151344,151417;153875,153992;155700,155760;157224,157246;159697,1597
 28;168495,168557;169440,169516;171591,171672;172878,172996;174339,174430;175125,
 175262;175844,175927;177052,177210;177301,177439;178461,178582;180597,180674;185
 210,185299;185988,186075;187306,187415;189338,189422;190388,191123

37483 45695,204754 1,316;4104,4154;11904,12001;14206,14307;163
 59,16505;20391,20446;29528,29660;45696,45741;48803,48935;53814,53950;55547,55607
 ;57647,57721;62779,62873;118163,118319;132084,132141;137607,137636;141486,141571
 ;148590,148670;151344,151417;153875,153992;155700,155760;157224,157246;159697,15
 9728;168495,168557;169440,169516;171591,171672;172878,172996;174339,174430;17512
 5,175262;175844,175927;177052,177210;177301,177439;178461,178582;180597,180674;1
 85210,185299;185988,186075;187306,187415;189338,189422;204743,204754

37483 159715,177574 143764,143929;148589,148670;151343,151417;
 153874,153992;155699,155760;156235,156376;157223,157246;159696,159728;168495,168
 557;169440,169516;171591,171672;172878,172996;174339,174430;175125,175262;175844
 ,175927;177052,177210;177301,177677

37483 132,62872 46,316;11904,12001;14206,14307;16359,16505;203
 91,20446;29528,29660;45696,45741;48803,48935;53814,53950;55547,55607;57647,57721
 ;62779,62873;118163,118319;132084,132141;137607,137636;141486,141571;148590,1486
 70;151344,151417;153875,153992;155700,155760;157224,157246;159697,159728;168495,
 168557;169440,169460;172925,172996;174339,174430;175125,175262;175844,175927;177
 052,177210;177301,177439;178461,178582;180597,180674;185210,185299;185988,186075
 ;187306,187415;189338,189422;190388,190638

37483 45695,190458 97,316;4104,4154;11904,12001;14206,14307;16
 359,16505;20391,20446;29528,29660;45696,45741;48803,48935;53814,53950;55547,5560
 7;57647,57721;62779,62873;118163,118319;132084,132141;137607,137636;141486,14157
 1;148590,148670;151344,151417;153875,153992;155700,155760;157224,157246;159697,1
 59728;168495,168557;169440,169516;171591,171672;172878,172996;174339,174430;1751
 25,175262;175844,175927;177052,177210;177301,177439;178461,178582;180597,180674;
 185210,185299;185785,185898;185988,186075;187306,187415;189338,189410;189416,189
 422;190388,190458

37484 1674,3439 1,1896;2006,2154;2458,3610

37484 96,3439 1,98;1674,1896;2006,2154;2458,3610

37484 96,3439 29,98;1674,1896;2006,2154;2458,3611

37485 394,3789 1,468;788,967;1053,1164;1378,1525;1603,1704;179
 8,1994;2077,2273;2386,2566;2728,2802;2953,3143;3237,3407;3546,3878

37485 394,3789 300,468;1053,1164;1378,1525;1603,1704;1798,1994
 ;2077,2273;2386,2566;2728,2802;2953,3143;3237,3407;3546,3878

37485 394,3789 300,468;788,967;1053,1164;1378,1525;1603,1704;1
 798,1994;2077,2273;2386,2539;2707,2802;2953,3143;3237,3407;3546,3875

37486 490,1834 12,678

37486 490,1834 22,678

37487 1179,5310 1,52;1180,1297;3732,3794;5237,5532

37487 576,5310 76,206;551,636;1180,1297;3732,3794;5237,5532

37487 576,5310 76,206;551,636;1180,1297;3732,3794;5237,5536

37488 0,20204 1,1011;20193,20204

37488 19377,19650 11556,12706;19372,20646

37488	19377, 19650	11828, 12706; 19372, 20649
37489	1674, 3439	1, 1896; 2006, 2154; 2458, 3610
37489	96, 3439	1, 98; 1674, 1896; 2006, 2154; 2458, 3610
37489	96, 3439	29, 98; 1674, 1896; 2006, 2154; 2458, 3611
37490	0, 894593	1, 679; 894115, 894593
37490	507818, 602535	505832, 505992; 507720, 507866; 531814, 532057; 577213, 577330; 579446, 579578; 583038, 583088; 588417, 588562; 590703, 590826; 592023, 592 137; 594032, 594180; 594354, 594455; 596193, 596361; 597235, 597335; 597641, 597799; 600685 , 600803; 602307, 603385
37490	531837, 602535	505955, 505992; 507720, 507866; 513089, 513129; 531814, 532057; 577213, 577330; 579446, 579578; 583038, 583088; 588417, 588562; 590703, 590 826; 592023, 592137; 594032, 594180; 594354, 594455; 596193, 596361; 597235, 597335; 597641 , 597799; 600685, 600803; 602307, 603385
37490	522298, 602535	522220, 522331; 531814, 532057; 577213, 577330; 579446, 579578; 583038, 583088; 588417, 588562; 590703, 590826; 592023, 592137; 594032, 594 180; 594354, 594455; 596193, 596361; 597235, 597335; 597641, 597799; 600685, 600803; 602307 , 603385
37490	522298, 602535	522299, 522331; 531814, 532057; 577213, 577330; 579446, 579578; 583038, 583088; 588417, 588562; 590703, 590826; 592023, 592137; 594032, 594 180; 594354, 594455; 596193, 596361; 597235, 597335; 597641, 597799; 600685, 600803; 602307 , 603385
37490	525405, 602535	525300, 525447; 531814, 532057; 577213, 577330; 579446, 579578; 583038, 583088; 588417, 588562; 590703, 590826; 592023, 592137; 594032, 594 180; 594354, 594455; 596193, 596361; 597235, 597335; 597641, 597799; 600685, 600803; 602307 , 603385
37490	525405, 602535	525300, 525447; 531814, 532057; 577213, 577330; 579446, 579578; 583038, 583088; 588417, 588562; 590703, 590826; 592023, 592137; 594032, 594 216; 594354, 594455; 596193, 596361; 597235, 597335; 597641, 597799; 600685, 600803; 602307 , 603385
37490	525417, 602535	525300, 525447; 531814, 532057; 577213, 577330; 579446, 579578; 583038, 583088; 588417, 588562; 590703, 590826; 592023, 592137; 594032, 594 216; 594354, 594455; 596193, 596361; 597235, 597335; 597641, 597799; 600685, 600803; 602307 , 603385
37490	526114, 602535	526041, 526189; 531814, 532057; 577213, 577330; 579446, 579578; 583038, 583088; 588417, 588562; 590703, 590826; 592023, 592137; 594032, 594 180; 594354, 594455; 596193, 596361; 597235, 597335; 597641, 597799; 600685, 600803; 602307 , 603385
37490	562374, 602535	562227, 562759; 565458, 565645; 566132, 566282; 577213, 577330; 579446, 579578; 583038, 583088; 588417, 588562; 590703, 590826; 592023, 592 137; 594032, 594216; 594354, 594455; 596193, 596361; 597235, 597335; 597641, 597799; 600685 , 600803; 602307, 603385
37490	562374, 602535	562227, 562759; 565458, 565648; 566132, 566282; 577213, 577330; 579446, 579578; 583038, 583088; 588417, 588562; 590703, 590826; 592023, 592 137; 594032, 594216; 594354, 594455; 596193, 596361; 597235, 597335; 597641, 597799; 600685 , 600803; 602307, 603385
37491	83, 22257	1, 253; 607, 691; 3777, 3866; 4318, 4377; 8208, 8321; 107 70, 10814; 14058, 14126; 17736, 17846; 19439, 19497; 22218, 22616
37491	83, 22257	84, 253; 607, 691; 3777, 3866; 4318, 4377; 8208, 8321; 14 058, 14126; 17736, 17846; 19439, 19497; 22218, 22274
37492	347, 21905	1, 704; 2166, 2231; 2522, 2573; 2692, 2759; 3980, 4134;

5751,5891;5992,6121;8893,8981;9988,10100;10177,10247;11709,11795;11878,12074;163
59,16483;18914,19029;21741,22116

37493 12760,20069 1,82;12759,12871;15676,15844;18607,18736;193
80,19473;19992,20304

37494 335,114495 1,377;493,807;78206,78259;88840,89169;114331,
114494

37494 37026,37502 35657,37071;37182,37925

37494 37473,114495 37196,37505;80877,80931;88840,89169;114331,
114494

37494 88852,89029 80871,80931;88840,89169;92300,92347;94288,94
875

37494 89025,94431 80871,80931;88840,89169;92300,92347;94288,94
875

37494 88839,114495 88839,89169;105180,105275;114352,114923

37495 21,37084 1,300;747,848;3064,3188;3341,3494;7953,8079;118
22,12009;13793,13946;18015,18082;19687,19779;20412,20519;25783,25898;34452,34614
;35587,35723;36955,38408

37495 21,37084 3,300;747,848;3064,3188;3341,3494;7953,8079;118
22,12009;13793,13946;18015,18082;19687,19779;20412,20519;25783,25898;34452,34614
;35587,35723;36955,38413

37496 602,3581 1,1108;1213,1417;1507,1701;1935,1967;2193,2298;
2452,2521;3215,3310;3416,3912

37496 602,3581 1,1108;1213,1417;1935,1967;2193,2298;2452,2521;
3416,3912

37497 222,104420 1,326;53606,53720;58153,58272;67036,67122;692
36,69323;69882,69960;74542,74623;76716,76801;85531,85623;86995,87225;88992,89139
;93703,93853;94395,94503;94970,95110;96223,96405;96686,96820;98289,98468;99170,9
9316;100209,100289;102038,102196;104261,104955

37497 222,104420 39,326;53606,53720;58153,58272;67036,67122;69
236,69323;69882,69960;74542,74623;76716,76801;85531,85623;86995,87225;88992,8913
9;93703,93853;94395,94503;94970,95110;96223,96405;96686,96820;98289,98468;99170,
99316;100209,100289;102038,102196;104261,104955

37498 490,13919 110,517;1050,1332;5352,5482;7413,7618;9518,975
0;13720,17820

37498 490,13919 1,517;1050,1332;5352,5482;7413,7618;9518,9750;
13720,17816

37499 190,64883 1,292;10895,10963;22394,22450;22989,23133;2377
6,23850;26150,26228;26717,26779;30546,30616;38968,38987;43863,43954;46412,46586;
58532,58668;61276,61371;61722,61814;63556,63627;63806,63903;64759,64953;66186,66
470

37499 190,64889 1,292;10895,10963;22394,22450;22989,23133;2377
6,23850;26150,26228;26717,26779;30546,30616;42925,42944;43863,43954;46412,46586;
58532,58668;61276,61371;61722,61814;63556,63627;63806,63903;64759,64953;66186,66
470

37499 23048,64883 183,292;10895,10963;22394,22450;22989,23133;
23776,23850;26150,26228;26717,26779;30546,30616;43849,43954;46412,46586;58532,58
668;61276,61371;61722,61814;63556,63627;63806,63903;64759,64953;66186,66469

37499 43922,64883 190,292;10898,10963;22394,22450;22989,23133;
23776,23850;26150,26228;26717,26779;30546,30616;42925,42944;43863,43954;46412,46
586;58532,58668;61276,61371;61722,61814;63556,63627;63806,63903;64759,66446

37499 23048,64889 3814,4010;10895,10963;22394,22450;22989,2313
3;23776,23850;26150,26228;26717,26779;30546,30616;42925,42944;43863,43954;46412,
46586;58532,58668;61276,61371;61722,61814;63556,63627;63806,63903;64759,64953;66
186,66475

37499 49120,49660 42957,43347;47107,53095

37499 9624,64889 9440,9636;10895,10963;22394,22450;22989,23133
;23776,23850;26150,26228;26717,26779;30546,30616;42925,42944;43863,43954;46412,4
6586;58532,58668;61276,61371;61722,61814;63556,63627;63806,63903;64759,64953;661
86,66476

37500 215877,377480 135657,135746;215802,215938;226084,226216;
229701,229873;232002,232097;237241,237447;240906,241005;241142,241323;244226,244
350;245015,245132;246780,246930;251042,251169;251440,251615;266559,266679;288354
,288512;300565,300714;321673,321743;324127,324361;327782,327885;332595,332781;33
5302,335414;336508,336664;377404,377480

37500 215877,377480 1,37;215802,215938;217518,217550;226084,22
6216;229701,229873;232002,232097;237241,237447;240906,241005;241142,241323;24422
6,244350;245015,245132;246780,246930;251042,251169;251440,251615;266559,266679;2
88354,288512;300565,300714;321673,321743;324127,324361;327782,327885;332595,3327
81;335302,335414;336508,336664;377404,377737

37500 215877,377480 1,37;215802,215938;226084,226216;229701,22
9873;232002,232097;237241,237447;240906,241005;241142,241323;244226,244350;24501
5,245132;246780,246930;251042,251169;251440,251615;266559,266679;288354,288512;3
00565,300714;321673,321743;324127,324361;327782,327885;332595,332781;335302,3354
14;336508,336664;377404,377737

37500 215877,377480 215799,215938;217518,217550;226084,226216;
229701,229873;232002,232097;237241,237447;240906,241005;241142,241323;244226,244
350;245015,245132;246780,246930;251042,251169;251440,251615;266559,266679;288354
,288512;300565,300714;321673,321743;324127,324361;327782,327885;332595,332781;33
5302,335414;336508,336664;377404,377737

37500 215877,377480 215799,215938;226084,226216;229701,229873;
232002,232097;237241,237447;240906,241005;241142,241323;244226,244350;245015,245
132;246780,246930;251042,251169;251440,251615;266559,266679;288354,288512;300565
,300714;321673,321743;324127,324361;327782,327885;332595,332781;335302,335414;33
6508,336664;377404,377737

37501 47151,79136 1,175;47144,47256;55842,55913;57881,57994;61
459,61554;66429,66602;71196,71354;74904,75011;77664,77723;79017,79909

37501 47151,79136 1,62;70,175;47144,47256;55842,55913;57881,57
994;61459,61554;66429,66602;71196,71354;74904,75011;77664,77723;79017,79909

37501 47151,79136 17674,17924;47144,47256;55842,55913;57881,57
994;61459,61554;66429,66602;71196,71354;74904,75011;77664,77723;78705,79907

37501 61527,79144 29,175;47144,47256;55842,55913;57881,57994;6
1459,61554;66429,66602;71196,71354;74904,75011;77664,77723;79017,79046;79051,791
07;79112,79407

37501 47151,79136 47146,47256;55842,55913;57881,57994;61459,61
554;66429,66602;71196,71354;74904,75011;75226,75282;77664,77723;78705,79911

37502 676,10589 1,182;647,758;1521,1868;5284,5565;7225,7446;79
93,8013;8102,8125;9985,11677

37502 676,9781 1,182;647,758;1521,1868;5284,5565;7225,7446;799
3,8013;8102,8128;9759,11677

37502 676,10589 1,182;647,758;1521,1868;5284,5565;7225,7446;79

93,8013;8102,8128;9988,11677

37502 676,10780 1,182;647,758;1521,1868;5284,5565;7258,7446;79

93,8013;8102,8128;9988,10448;10548,10550;10553,10661;10701,10780

37503 1,35387 1,101;2596,2731;4756,4930;5196,5358;17730,17854;
17867,17869;35214,36085

37503 2594,35387 2595,2731;4756,4930;5196,5358;17730,17856;325
07,32726;35214,36085

37503 94,35387 42,101;2596,2731;4756,4930;5196,5358;17730,1785
6;32507,32726;34906,34956;35214,36086

37504 1143,1827 1,119;686,758;1117,2024

37504 1143,1827 56,119;686,758;1117,2022

37505 1507,21419 1493,1617;2614,2729;4870,4966;7849,7979;11898
,12061;14685,14807;15192,15287;15373,15458;15468,15531;16080,16145;16741,16916;1
8593,18683;19300,19421;19670,19775;19981,20102;20179,20286;20385,20501;20701,208
49;21056,21245;21326,21444

37505 1507,21419 1493,1617;2614,2729;4870,4997;7847,7979;11925
,12061;14685,14807;15192,15287;15373,15458;15468,15531;16080,16145;16741,16916;1
8593,18683;19300,19421;19670,19775;19981,20102;20179,20286;20385,20501;20701,208
49;21056,21245;21326,21444

37505 1507,21419 1507,1617;2614,2729;4870,4967;7847,7979;11898
,12061;14685,14807;15192,15287;15373,15531;16080,16145;16741,16916;18593,18683;1
9300,19421;19670,19775;19981,20102;20179,20286;20385,20501;20701,20849;21056,212
45;21326,21592

37505 19706,20721 15480,15531;16080,16145;16741,16916;18593,18
683;19300,19421;19670,19775;19981,20102;20330,20501;20701,20849;21056,21245;2132
6,21589

37505 1507,21419 1,67;1494,1617;2614,2729;4870,4967;7847,7979;
11925,12061;14685,14846;15192,15287;15373,15531;16080,16145;16741,16916;18593,18
683;19300,19421;19670,19775;19981,20102;20179,20286;20385,20501;20701,20849;2105
6,21245;21326,21444

37505 7926,21419 1,67;1494,1617;2614,2729;4870,4997;7847,7979;
11925,11939;12031,12051;12053,12083;20753,20849;21056,21245;21326,21444

37505 7926,21419 4895,4997;7847,7979;11925,11995;20754,20849;2
1056,21245;21326,21444

37506 68898,79816 1,269;68751,69219;69398,69533;70007,70134;73
968,74088;75446,75499;75861,75933;77125,77270;79578,84096

37506 23049,105911 21330,21399;22816,22940;23021,23057;23954,2
4069;26231,26327;29154,29284;33218,33354;99167,99289;99674,99769;99855,100013;10
0562,100627;101223,101398;103084,103174;103791,103912;104161,104266;104472,10459
3;104670,104777;104876,104992;105193,105341;105548,105737;105818,105936

37506 23049,105911 21330,21399;22816,22940;23021,23057;23954,2
4069;26231,26358;29152,29284;33218,33354;99167,99289;99674,99769;99855,100013;10
0562,100627;101223,101398;103084,103174;103791,103912;104161,104266;104472,10459
3;104670,104777;104876,104992;105193,105341;105548,105737;105818,105936

37506 22830,42707 21330,21399;22816,22940;23954,24069;26231,26
327;29154,29284;33191,33354;35977,36099;36484,36579;36665,36750;36757,36820;3736
9,37434;38030,38205;39881,39971;40588,40709;40958,41063;41269,41390;41467,41574;
41673,41789;41989,42137;42344,42533;42614,42732

37506 22830,105911 21330,21399;22816,22940;23954,24069;26231,2
6327;29154,29284;33191,33354;99167,99289;99674,99769;99855,100013;100562,100627;

101223, 101398; 103084, 103174; 103791, 103912; 104161, 104266; 104472, 104593; 104670, 104777; 104876, 104992; 105193, 105341; 105548, 105737; 105818, 105936
37506 22830, 105911 21330, 21399; 22816, 22940; 23954, 24069; 26231, 26327; 29154, 29284; 33218, 33354; 99167, 99289; 99674, 99769; 99855, 100013; 100562, 100627; 101223, 101398; 103084, 103174; 103791, 103912; 104161, 104266; 104472, 104593; 104670, 104777; 104876, 104992; 105193, 105341; 105548, 105737; 105818, 105936
37506 22830, 42707 21330, 21399; 22816, 22940; 23954, 24069; 26231, 26358; 29152, 29284; 33218, 33354; 35977, 36099; 36484, 36579; 36665, 36750; 36757, 36820; 37369, 37434; 38030, 38205; 39881, 39971; 40588, 40709; 40958, 41063; 41269, 41390; 41467, 41574; 41673, 41789; 41989, 42137; 42344, 42533; 42614, 42732
37506 22830, 105911 21330, 21399; 22816, 22940; 23954, 24069; 26231, 26358; 29152, 29284; 33218, 33354; 99167, 99289; 99674, 99769; 99855, 100013; 100562, 100627; 101223, 101398; 103084, 103174; 103791, 103912; 104161, 104266; 104472, 104593; 104670, 104777; 104876, 104992; 105193, 105341; 105548, 105737; 105818, 105936
37506 22830, 105911 21330, 21399; 22816, 22940; 23954, 24069; 26231, 26358; 29152, 29284; 33218, 33354; 99167, 99328; 99674, 99769; 99855, 100013; 100562, 100627; 101223, 101398; 103084, 103174; 103791, 103912; 104161, 104266; 104472, 104593; 104670, 104777; 104876, 104992; 105193, 105341; 105548, 105737; 105818, 105936
37506 99187, 105911 21330, 21399; 22816, 22940; 23954, 24069; 26231, 26358; 29152, 29284; 99167, 99289; 99674, 99769; 99855, 100013; 100562, 100627; 101223, 101398; 103084, 103174; 103791, 103912; 104161, 104266; 104472, 104593; 104670, 104777; 104876, 104992; 105193, 105341; 105548, 105737; 105818, 105936
37506 99688, 105911 21330, 21399; 22816, 22940; 23954, 24069; 26231, 26358; 29152, 29284; 99674, 99769; 99855, 100013; 100562, 100627; 101223, 101398; 103084, 103174; 103791, 103912; 104161, 104266; 104472, 104593; 104670, 104777; 104876, 104992; 105193, 105341; 105548, 105737; 105818, 105936
37506 22830, 42707 21342, 21408; 22817, 22940; 23954, 24069; 26231, 26328; 29152, 29284; 33191, 33354; 35977, 36099; 36484, 36579; 36665, 36750; 36757, 36820; 37369, 37434; 38030, 38205; 39881, 39971; 40588, 40709; 40958, 41063; 41269, 41390; 41467, 41574; 41673, 41789; 41989, 42137; 42344, 42533; 42614, 42732
37506 22830, 42707 21342, 21408; 22817, 22940; 23954, 24069; 26231, 26328; 29152, 29284; 33218, 33354; 35977, 36099; 36484, 36579; 36665, 36750; 36757, 36820; 37369, 37434; 38030, 38205; 39881, 39971; 40588, 40709; 40958, 41063; 41269, 41390; 41467, 41574; 41673, 41789; 41989, 42137; 42344, 42533; 42614, 42732
37506 22830, 42707 21342, 21408; 22817, 22940; 23954, 24069; 26231, 26328; 29152, 29284; 33218, 33354; 35977, 36138; 36484, 36579; 36665, 36750; 36757, 36820; 37369, 37434; 38030, 38205; 39881, 39971; 40588, 40709; 40958, 41063; 41269, 41390; 41467, 41574; 41673, 41789; 41989, 42137; 42344, 42533; 42614, 42732
37506 37399, 42707 21342, 21408; 22817, 22940; 23954, 24069; 26231, 26358; 29152, 29284; 33218, 33354; 35977, 36099; 36484, 36579; 36665, 36750; 36757, 36820; 37369, 37434; 38030, 38089; 39881, 39971; 40588, 40709; 40958, 41063; 41269, 41390; 41467, 41574; 41673, 41789; 41989, 42137; 42344, 42533; 42614, 42732
37506 22830, 42707 21342, 21408; 22817, 22940; 23954, 24069; 26231, 26358; 29152, 29284; 33218, 33354; 35977, 36099; 36484, 36579; 36665, 36750; 36757, 36820; 37369, 37434; 38030, 38205; 39881, 39971; 40588, 40709; 40958, 41063; 41269, 41390; 41467, 41574; 41673, 41789; 41989, 42137; 42344, 42533; 42614, 42732
37506 37399, 42707 21342, 21408; 22817, 22940; 23954, 24069; 26231, 26358; 29152, 29284; 33218, 33354; 35977, 36138; 36484, 36579; 36665, 36750; 36757, 36820; 37369, 37434; 38030, 38089; 39881, 39971; 40588, 40709; 40958, 41063; 41269, 41390; 41467, 41574; 41673, 41789; 41989, 42137; 42344, 42533; 42614, 42732

37506 29231,42707 26256,26358;29152,29284;33218,33288;42042,42
137;42344,42533;42614,42732

37507 881,2939 1,65;878,3004

37508 23040,352774 1,154;980,1055;23025,23132;27573,27643;1343
12,134427;145933,146019;148642,148800;150685,150783;151936,152019;152131,152277;
158672,158767;160391,160435;164673,164827;167537,167636;168631,168791;169614,169
755;171687,171845;173926,174098;176203,176322;177278,177475;179685,179936;180751
,180892;181617,181797;183163,183350;187102,187240;187913,187971;189939,190100;19
0177,190347;190830,190895;191618,191755;195044,195169;197693,197893;200039,20029
0;203696,203821;206362,206490;209379,209499;212716,212900;216874,217022;218306,2
18417;223916,223948;232095,232130;233675,233722;239637,239769;241713,241903;2730
79,273259;275060,275313;281791,281991;283813,283923;286099,286194;289168,289290;
290365,290469;294496,294688;301614,301736;306974,307149;312652,312816;317814,318
009;319691,319783;320972,321111;321602,321767;324631,324791;343323,343484;352688
,353052

37508 23040,352774 1,154;980,1055;23025,23132;27573,27643;1343
12,134427;145933,146019;148642,148800;150685,150783;151936,152019;152131,152277;
158672,158767;164673,164827;167537,167636;168631,168791;169614,169755;171687,171
845;173926,174098;176203,176322;177278,177475;179685,179936;180751,180892;181617
,181770;183163,183350;187102,187240;187913,187967;189935,190100;190177,190347;19
0830,190895;191618,191755;195044,195169;197693,197893;200039,200290;203696,20382
1;206362,206490;209379,209499;212716,212900;216874,217022;218306,218417;239637,2
39769;241713,241903;273079,273259;275060,275313;281791,281991;283813,283923;2860
99,286194;289168,289290;290365,290469;294496,294688;301614,301736;306974,307149;
312652,312816;317814,318009;319691,319783;320972,321111;321602,321767;324631,324
791;343323,343484;352688,353944

37508 23040,352774 23041,23132;27573,27643;134312,134427;14593
3,146019;148642,148800;150685,150783;151936,152019;152131,152277;158672,158767;1
60391,160435;164673,164827;167537,167636;168631,168791;169614,169755;171687,1718
45;173926,174098;176203,176322;177278,177475;179685,179936;180751,180892;181617,
181770;183163,183350;187102,187240;187913,187971;189939,190100;190177,190347;190
830,190895;191618,191755;195044,195169;197693,197893;200039,200290;203696,203821
;206362,206490;209379,209499;212716,212900;216874,217022;218306,218417;239637,23
9769;241713,241903;273079,273259;275060,275313;281791,281991;283813,283923;28609
9,286194;289168,289290;290365,290469;294496,294688;301614,301736;306974,307149;3
12652,312816;317814,318009;319691,319783;320972,321111;321602,321767;324631,3247
91;343323,343484;352688,352774

37508 23040,352774 23041,23132;27573,27643;134312,134427;14593
3,146019;148642,148800;150685,150783;151936,152019;152131,152277;158672,158767;1
60391,160435;164673,164827;167537,167636;168631,168791;169614,169755;171687,1718
45;173926,174098;176203,176322;177278,177475;179685,179936;180751,180892;181617,
181797;183163,183350;187102,187240;187913,187971;189939,190100;190177,190347;190
830,190895;191618,191755;195044,195169;197693,197893;200039,200290;203696,203821
;206362,206490;209379,209499;212716,212900;216874,217022;218306,218417;223916,22
3948;232095,232130;239637,239769;241713,241903;273079,273259;275060,275313;28179
1,281991;283813,283923;286099,286194;289168,289290;290365,290469;294496,294688;3
01614,301736;306974,307149;312652,312816;317814,318009;319691,319783;320972,3211
11;321602,321767;324631,324791;343323,343484;352688,352774

37508 23040,352774 6,154;980,1055;23025,23132;27573,27643;1343
12,134427;145933,146019;148642,148800;150685,150783;151936,152019;152131,152277;

158672, 158767; 164673, 164827; 167537, 167636; 168631, 168791; 169614, 169755; 171687, 171
 845; 173926, 174098; 176203, 176322; 177278, 177475; 179685, 179936; 180751, 180892; 181617
 , 181797; 183163, 183350; 187102, 187240; 187913, 187971; 189939, 190100; 190177, 190347; 19
 0830, 190895; 191618, 191755; 195044, 195169; 197693, 197893; 200039, 200290; 203696, 20382
 1; 206362, 206490; 209379, 209499; 212716, 212900; 216874, 217022; 218306, 218417; 223916, 2
 23948; 232095, 232130; 233675, 233722; 239637, 239769; 241713, 241903; 273079, 273259; 2750
 60, 275313; 281791, 281991; 283813, 283923; 286099, 286194; 289168, 289290; 290365, 290469;
 294496, 294688; 301614, 301736; 306974, 307149; 312652, 312816; 317814, 318009; 319691, 319
 783; 320972, 321111; 321602, 321767; 324631, 324791; 343323, 343484; 352688, 353946
 37509 30, 7246 1, 96; 1868, 1992; 2091, 2298; 2382, 2452; 2555, 2642; 418
 2, 4361; 4483, 4604; 4703, 4865; 4961, 5079; 5182, 5323; 5480, 5601; 5710, 5851; 5946, 6041; 622
 8, 6375; 6665, 6782; 7216, 8855
 37509 30, 7246 1, 96; 1868, 1992; 2091, 2298; 2382, 2452; 2555, 2642; 418
 2, 4361; 4483, 4604; 4703, 4865; 4961, 5079; 5182, 5323; 5480, 5601; 5710, 5851; 5946, 6041; 622
 8, 6375; 6665, 6782; 7216, 8863
 37510 662, 19374 1, 1932; 3304, 3367; 10401, 10572; 17340, 17477; 18955
 , 20460
 37510 662, 18989 1, 1932; 3304, 3367; 10401, 10572; 17405, 17477; 18955
 , 20460
 37510 662, 19374 1, 1932; 3304, 3367; 10401, 10572; 18955, 20460
 37510 662, 4860 1, 1932; 3304, 3367; 4581, 5583
 37511 72, 73543 11, 177; 39524, 39697; 40633, 40756; 56795, 56925; 5786
 1, 57935; 59143, 59301; 60133, 60261; 63724, 63823; 65658, 65810; 70493, 70578; 71593, 71667;
 72014, 72169; 73442, 73756
 37511 72, 73543 1, 177; 39524, 39697; 40633, 40756; 50801, 50913; 51709
 , 51905; 52400, 52608; 53707, 53874; 56795, 56925; 57861, 57935; 59143, 59301; 60133, 60261; 6
 3724, 63823; 65658, 65810; 67351, 67386; 70493, 70578; 71593, 71667; 72014, 72169; 73442, 749
 00
 37511 12302, 34604 12303, 12421; 34457, 34484; 34486, 34551; 34554, 34
 604
 37511 72, 73543 16, 177; 39524, 39697; 40633, 40756; 50801, 50913; 5170
 9, 51905; 52400, 52608; 53707, 53874; 56795, 56925; 57861, 57935; 59143, 59301; 60133, 60261;
 63724, 63823; 65658, 65810; 70493, 70578; 71593, 71667; 72014, 72169; 73442, 74899
 37511 72, 73543 70, 177; 39524, 39697; 40633, 40756; 50801, 50913; 5170
 9, 51905; 52400, 52608; 56795, 56925; 57861, 57935; 59143, 59301; 60133, 60261; 63724, 63823;
 65658, 65810; 67351, 67386; 70493, 70578; 71593, 71667; 72014, 72169; 73442, 74900
 37512 10587, 14724 1, 28; 10578, 10797; 11573, 11705; 13598, 13698; 142
 69, 15849
 37512 10587, 14724 1, 28; 10578, 10797; 11573, 11705; 13598, 13698; 142
 69, 15850
 37513 87, 23714 1, 347; 7781, 7977; 12748, 12917; 15465, 18009; 20274, 2
 0539; 21764, 21881; 22472, 22561; 23058, 23212; 23306, 23505; 23633, 23807
 37514 1302, 282499 1068, 1312; 1505, 1556; 128670, 128750; 218124, 218
 258; 219756, 219800; 225270, 225386; 227758, 227826; 229494, 229529; 232918, 232980; 233803
 , 233838; 234018, 234059; 235086, 235178; 236517, 236570; 242919, 242987; 244372, 244416; 24
 4911, 244964; 245801, 245870; 246918, 247025; 247965, 248105; 249002, 249106; 250821, 25098
 1; 251471, 251650; 252219, 252402; 258530, 258601; 258876, 258983; 260060, 260281; 260653, 2
 60814; 262487, 262657; 263701, 263844; 264283, 264408; 264877, 265058; 266966, 267029; 2680
 37, 268111; 268581, 268688; 268782, 268889; 269482, 269553; 269878, 270003; 274012, 274128;
 274460, 274621; 274800, 274898; 276460, 276606; 277763, 277879; 278844, 279035; 279750, 280

036;282238,283882

37514 128670,282499 1068,1312;1505,1556;128670,128750;218124,2
18300;225270,225386;227758,227826;232725,232754;232918,232980;235003,235062;2350
68,235178;236517,236570;242919,242987;244857,244964;245801,245870;246918,247025;
247965,248105;249002,249106;250821,250981;251471,251650;252219,252402;258530,258
601;258876,258983;260060,260281;260653,260814;262487,262657;263701,263844;264283
,264408;264877,265058;266966,267029;268037,268111;268581,268688;268782,268889;26
9482,269553;269878,270003;274012,274128;274460,274621;274800,274898;276460,27660
6;277763,277879;278844,279035;279750,280036;282238,283882

37514 128670,170421 1,140;1505,1556;128670,128750;170346,17185
0

37514 127,282499 17,140;1505,1556;128670,128750;218124,218258;
219756,219800;225270,225386;227758,227826;229494,229529;232918,232980;233803,233
838;234018,234059;235086,235178;236517,236570;242919,242987;244372,244416;244911
,244964;245801,245870;246918,247025;247965,248105;249002,249106;250821,250981;25
1471,251650;252219,252402;258530,258601;258876,258983;260060,260281;260653,26081
4;262487,262657;263701,263844;264283,264408;264877,265058;266966,267029;268037,2
68111;268581,268688;268782,268889;269482,269553;269878,270003;274012,274128;2744
60,274621;274800,274898;276460,276606;277763,277879;278844,279035;279750,280036;
282238,283882

37514 128670,282499 17,140;1505,1556;128670,128750;218124,2183
00;225270,225386;227758,227826;232725,232754;232918,232980;235003,235062;235068,
235178;236517,236570;242919,242987;244857,244964;245801,245870;246918,247025;247
965,248105;249002,249106;250821,250981;251471,251650;252219,252402;258530,258601
;258876,258983;260060,260281;260653,260814;262487,262657;263701,263844;264283,26
4408;264877,265058;266966,267029;268037,268111;268581,268688;268782,268889;26948
2,269553;269878,270003;274012,274128;274460,274621;274800,274898;276460,276606;2
77763,277879;278844,279035;279750,280036;282238,283882

37515 66,9522 1,516;1910,2038;3571,3653;5707,5820;7832,7939;88
13,8875;9432,9712

37515 66,9522 66,516;1910,2038;3571,3653;5707,5820;7832,7939;8
813,8875;9432,10575

37516 450,161150 1,590;56850,56931;57947,58047;94788,94925;108
624,108884;117188,117332;120126,120264;122412,122503;123229,123388;125560,125620
;126120,126131;127417,127496;128380,128428;128941,129076;129174,129265;129500,12
9746;130123,130229;132746,132905;136139,136299;136676,136860;142465,142534;14317
3,143276;143443,143629;145812,145905;146001,146095;146881,147060;147238,147406;1
49561,149631;150242,150330;150729,150807;151874,152135;152225,152438;161146,1629
34

37516 330,161150 1,590;56850,56931;57947,58047;94788,94925;108
624,108884;117188,117332;120126,120264;122412,122503;123229,123388;125560,125624
;127308,127315;127417,127496;128380,128428;128941,129076;129174,129265;129500,12
9746;130123,130229;132746,132905;136139,136299;136676,136860;142465,142534;14317
3,143276;143443,143629;145812,145905;146001,146095;146881,147060;147238,147406;1
49561,149631;150242,150330;150729,150807;151874,152135;152225,152438;161146,1629
34

37517 11177,39328 11177,11267;39233,39327

37517 11177,54996 1,367;428,642;11089,11267;38675,38941;40188,
40277;40530,40702;42378,42501;43924,44114;46682,46826;48888,49084;50250,50395;50
632,50753;51207,51317;52563,52753;53722,53844;53994,54064;54334,54471;54600,5470

5;54819,55754

37517 11177,54996 25,642;11089,11267;38675,38941;40188,40271;4
0530,40702;42378,42501;43924,44114;46682,46826;48888,49084;49428,49433;50250,503
95;50632,50753;51207,51317;52563,52753;53722,53844;53994,54064;54334,54471;54600
,54705;54819,55896

37517 11177,39328 5,642;11089,11267;38675,38941;39233,39376;40
188,40271;40530,40702;42378,42444

37517 11177,54996 5,642;11089,11267;38675,38941;40188,40271;40
530,40702;42378,42501;43924,44114;46682,46826;48888,49090;50250,50395;50632,5075
3;51207,51317;52563,52753;53722,53844;53994,54064;54334,54471;54600,54705;54819,
55849

37517 11177,54996 5,642;11089,11267;38675,38941;40188,40277;40
530,40702;42378,42501;43924,44114;46682,46826;48888,49084;50250,50395;50632,5075
3;51207,51317;52563,52753;53722,53844;53994,54064;54334,54471;54600,54705;54819,
55849

37517 11177,54996 5,642;11089,11267;38675,38941;40188,40277;40
530,40702;42378,42501;43924,44114;46682,46826;48888,49090;50250,50395;50632,5075
3;51207,51317;52563,52753;53722,53844;53994,54064;54334,54418;54658,54705;54819,
55849

37517 11177,54996 5,642;11089,11267;38675,38941;40188,40277;40
530,40702;42378,42501;43924,44114;46682,46826;48888,49090;50250,50395;50632,5075
3;51207,51317;52563,52753;53722,53844;53994,54064;54334,54471;54600,54705;54819,
55849

37517 11177,53832 5,642;11089,11267;38675,38941;40188,40277;40
530,40702;42378,42501;43924,44114;46682,46826;48888,49090;50250,50395;50632,5075
3;51207,51317;52563,52778;53722,53844;53994,54064;54334,54471;54600,54705;54819,
55849

37517 11177,54996 5,642;11089,11267;40188,40271;40530,40702;42
378,42501;43924,44114;46682,46826;48888,49090;50250,50395;50632,50753;51207,5131
7;52563,52753;53722,53844;53994,54064;54334,54471;54600,54705;54819,55849

37517 11177,44355 5,642;11089,11267;40188,40271;40530,40702;42
378,42501;43924,45288

37517 11177,54996 5,642;11089,11267;40188,40277;40530,40702;42
378,42501;43924,44114;46682,46826;48888,49084;49428,49433;50250,50395;50632,5075
3;51207,51317;52563,52753;53722,53844;53994,54064;54334,54471;54600,54705;54819,
55849

37517 11177,54996 5,642;11089,11267;40188,40277;40530,40702;42
378,42501;43924,44114;46682,46826;48888,49090;50250,50395;50632,50753;51207,5131
7;52563,52753;53722,53844;53994,54064;54334,54471;54600,54705;54819,55849

37517 11177,44355 5,642;11089,11267;40188,40277;40530,40702;42
378,42501;43924,45288

37518 306,70541 1,425;15382,15492;18566,18631;25522,25567;2697
5,27113;30565,30689;33603,33731;35010,35140;36640,36721;39012,39142;39802,39931;
42557,42637;50788,50852;63406,63511;67870,67931;70508,71555

37518 306,70689 1,425;15382,15492;18566,18631;25522,25567;2697
5,27113;30565,30689;33603,33731;35010,35140;36640,36721;39012,39142;39802,39931;
50788,50852;63406,63511;67870,67931;68627,68742;70508,71555

37518 306,70541 1,425;15382,15492;18566,18631;25522,25567;2697
5,27113;30565,30689;33603,33731;35010,35140;36640,36721;39012,39142;39802,39931;
50788,50852;63406,63511;67870,67931;70508,71555

37518 306,70689 144,425;15382,15492;18566,18631;25522,25567;26
 975,27113;30565,30689;33603,33731;35010,35140;36640,36721;39012,39142;39802,3993
 1;42557,42637;50788,50852;63406,63511;67870,67931;68627,68742;70508,71555
 37519 306,70541 1,425;15382,15492;18566,18631;25522,25567;2697
 5,27113;30565,30689;33603,33731;35010,35140;36640,36721;39012,39142;39802,39931;
 42557,42637;50788,50852;63406,63511;67870,67931;70508,71555
 37519 306,70689 1,425;15382,15492;18566,18631;25522,25567;2697
 5,27113;30565,30689;33603,33731;35010,35140;36640,36721;39012,39142;39802,39931;
 50788,50852;63406,63511;67870,67931;68627,68742;70508,71555
 37519 306,70541 1,425;15382,15492;18566,18631;25522,25567;2697
 5,27113;30565,30689;33603,33731;35010,35140;36640,36721;39012,39142;39802,39931;
 50788,50852;63406,63511;67870,67931;70508,71555
 37519 306,70689 144,425;15382,15492;18566,18631;25522,25567;26
 975,27113;30565,30689;33603,33731;35010,35140;36640,36721;39012,39142;39802,3993
 1;42557,42637;50788,50852;63406,63511;67870,67931;68627,68742;70508,71555
 37520 4945,6865 1,71;4941,7330
 37521 82,56743 1,85;729,802;15910,16010;18466,18584;30656,3085
 3;34798,35028;36283,36399;37319,37452;40819,41016;43284,43527;44572,44706;45535,
 45689;46045,46171;56723,56743
 37521 82,47351 5,85;729,802;15910,16010;18466,18584;30656,3085
 3;34798,35028;36283,36399;37319,37452;40819,41016;43284,43521;44566,44706;45535,
 45689;46045,46171;47328,47846
 37522 166334,168585 1,24;166334,166460;166666,166726;167114,16
 9659
 37522 13264,19193 13167,13470;14705,14869;15108,15229;15311,15
 407;15487,15573;17634,17739;17819,17922;18888,19013;19097,19310
 37522 13264,19193 13167,13470;14705,14869;15108,15229;15311,15
 407;15487,15573;17634,17739;18925,19013;19097,19310
 37522 13264,19193 13167,13470;14705,14869;15108,15229;15311,15
 407;15487,15573;17634,17739;18952,19013;19097,19310
 37523 1159,41598 1,133;1160,1297;1994,2131;3348,3598;4107,4185
 ;4276,4374;6901,7106;21583,21693;41589,41598
 37523 1159,8551 1,133;1160,1297;1994,2131;3348,3598;4107,4185;
 4276,4374;6901,7106;8428,9420
 37524 362,80652 1,478;24904,25033;31494,31552;45078,45189;4589
 6,45925;46254,46301;48053,48167;48742,48813;68192,68271;74776,74854;79660,79833;
 80585,82963
 37524 362,74907 1,478;24904,25033;31494,31552;45078,45189;4589
 6,45925;46254,46301;48053,48167;48742,48813;68192,68271;74776,74963
 37524 362,79821 1,478;24904,25033;31494,31552;45078,45189;4589
 6,45925;46254,46301;48053,48167;48742,48813;68192,68271;79660,79833;80585,82963
 37524 362,80652 1,478;24904,25033;31494,31552;45078,45189;4589
 6,45925;46254,46301;48053,48167;48742,48813;72393,72472;74776,74854;79660,79833;
 80585,82963
 37524 102787,111578 26219,26242;102760,102906;103476,103605;10
 4826,104884;107958,108066;108224,108253;108689,108736;108861,108975;109084,10915
 5;110570,110649;110907,110985;111084,111260;111499,111733
 37525 215,60337 1,391;45720,46137;47041,47238;60317,60336
 37525 215,48100 1,391;45720,47234;48073,50017
 37525 215,47238 2,391;45720,47237

37526 0,91949 1,111;47550,47584;61580,61658;62639,62774;81718,
81809;82008,82065;83827,83995;85362,85710;87451,87593;88642,88888;91893,92049
37526 18869,91426 18869,19021;61580,61658;62639,62774;81718,81
809;82008,82065;83827,83995;85362,85710;87451,87593;88642,88888;91244,92061
37526 18904,91426 18875,19021;47550,47584;61580,61658;62639,62
774;81718,81809;82008,82065;83827,83995;85362,85710;87451,87593;88642,88888;9124
4,92061
37526 18989,91426 18875,19021;61580,61658;62639,62774;81718,81
809;82008,82065;83827,83995;85362,85710;87451,87593;88642,88888;91244,92061
37527 101,35081 1,110;3700,3879;9210,9452;14242,14360;17210,17
338;18405,18582;23100,23235;23914,24017;25645,25887;26914,27186;32799,32959;3407
0,34206;34930,36835
37527 5,35081 1,110;3700,3879;9210,9452;14242,14360;17210,1733
8;18405,18582;23100,23235;23914,24017;25645,25887;26914,27186;32799,32959;34070,
34206;34930,36835
37527 101,27219 1,110;3700,3879;9210,9452;14242,14360;17210,17
338;18405,18582;23100,23235;23914,24017;25645,25887;26914,27350
37528 156,38248 12,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390
;14957,15139;15551,15595;15723,15767;18265,18306;31236,31274;33015,33050;33563,3
3626;38197,38248
37528 156,38248 12,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390
;14957,15139;15551,15595;15723,15767;18265,18306;31236,31274;33015,33050;33563,3
3626;38197,38289;41463,43447
37528 156,38248 1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;
14957,15139;15551,15595;15723,15767;18265,18306;31236,31274;33015,33050;33563,33
626;38197,38289;41463,43457
37528 156,41535 1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;
14957,15139;15551,15595;15723,15767;18265,18306;31236,31274;33015,33050;33563,33
626;41463,43457
37528 156,38248 1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;
14957,15139;15551,15595;15723,15767;31236,31274;33015,33050;33563,33626;38197,38
289;41463,43457
37528 156,41535 1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;
14957,15139;15551,15595;15723,15767;31236,31274;33015,33050;33563,33626;41463,43
457
37528 156,38248 1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;
14957,15139;15723,15767;18265,18306;31236,31274;33015,33050;33563,33626;38197,38
289;41463,43457
37528 156,41535 1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;
14957,15139;15723,15767;18265,18306;31236,31274;33015,33050;33563,33626;41463,43
457
37528 156,41539 1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;
14957,15139;15723,15767;18265,18306;31236,31274;33015,33050;33600,33626;41463,43
457
37528 156,38248 1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;
14957,15139;15723,15767;31236,31274;33015,33050;33563,33626;38197,38289;41463,43
457
37528 156,41535 1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;
14957,15139;15723,15767;31236,31274;33015,33050;33563,33626;41463,43457
37528 156,38248 1,253;4958,5146;5484,5586;7583,7668;9193,9390;

14957, 15139; 18265, 18306; 31236, 31274; 33015, 33050; 33563, 33626; 38197, 38289; 41463, 43457

37528 156, 41535 1, 253; 4958, 5146; 5484, 5586; 7583, 7668; 9193, 9390;
14957, 15139; 18265, 18306; 31236, 31274; 33015, 33050; 33563, 33626; 41463, 43457

37528 156, 41539 1, 253; 4958, 5146; 5484, 5586; 7583, 7668; 9193, 9390;
14957, 15139; 18265, 18306; 31236, 31274; 33015, 33050; 41463, 43457

37528 156, 38248 1, 253; 4958, 5146; 5484, 5586; 7583, 7668; 9193, 9390;
14957, 15139; 31236, 31274; 33015, 33050; 33563, 33626; 38197, 38289; 41463, 43457

37528 156, 41535 1, 253; 4958, 5146; 5484, 5586; 7583, 7668; 9193, 9390;
14957, 15139; 31236, 31274; 33015, 33050; 33563, 33626; 41463, 43457

37529 4479, 26781 1, 70; 4430, 4667; 10290, 11049; 11467, 11668; 16480, 16621; 26298, 27723

37529 10455, 26781 22, 70; 4430, 4667; 10290, 11049; 11467, 11668; 16480, 16621; 26298, 26780

37529 10455, 26781 25, 70; 103, 178; 614, 983; 4430, 4671; 10290, 11049; 11467, 11668; 16480, 16621; 26298, 27723

37529 4479, 26781 4479, 4667; 10290, 11049; 11467, 11668; 16480, 16621; 26298, 27723

37530 166, 78041 1, 228; 4748, 4904; 60857, 61038; 77981, 84648

37530 166, 62730 166, 228; 4748, 4904; 60857, 61038; 62544, 62729

37531 283, 232263 1, 460; 20821, 20968; 25827, 25969; 78752, 78783; 155774, 155865; 194112, 194187; 199193, 199271; 202629, 202783; 204684, 204759; 207118, 207327; 215984, 216085; 218338, 218470; 219298, 219359; 219621, 219706; 220160, 220368; 222065, 22203; 224119, 224251; 225156, 225321; 225854, 225955; 226219, 226341; 226517, 226626; 226995, 227149; 227395, 227678; 227779, 227973; 228566, 228792; 228984, 229106; 230190, 230326; 230461, 230654; 230926, 232118; 232123, 232512

37531 283, 232263 1, 460; 20821, 20968; 25827, 25969; 78752, 78783; 155774, 155865; 194112, 194187; 199193, 199271; 202629, 202783; 204684, 204759; 207118, 207327; 215984, 216085; 218338, 218470; 219298, 219359; 219621, 219706; 220160, 220368; 222065, 22203; 224119, 224251; 225156, 225321; 225854, 225955; 226219, 226341; 226517, 226626; 226995, 227149; 227395, 227678; 227779, 227973; 228566, 228617; 228684, 228687; 228689, 228792; 228984, 229106; 230190, 230326; 230464, 230654; 230926, 232509

37531 202757, 229092 27, 460; 20821, 20968; 25827, 25969; 78752, 78783; 155774, 155865; 194112, 194187; 199193, 199271; 202629, 202783; 204684, 204759; 215984, 216085; 218338, 218470; 219298, 219359; 219621, 219706; 220160, 220368; 222065, 22203; 224119, 224251; 225156, 225321; 225854, 225955; 226219, 226341; 226517, 226626; 226995, 227149; 227395, 227678; 227779, 227973; 228566, 228617; 228684, 228687; 228689, 228792; 228984, 229106; 230190, 230326; 230464, 230654; 230926, 232509

37532 521, 120666 1, 738; 38419, 38490; 49295, 49369; 83662, 83799; 85865, 86008; 87914, 88057; 90656, 90799; 93437, 93580; 95650, 95730; 101887, 101958; 102745, 102816; 106725, 106888; 114627, 114947; 116656, 116937; 117527, 117946; 118530, 118655; 119297, 119449; 120067, 120351; 120439, 122130

37532 521, 120666 507, 738; 38419, 38490; 49295, 49369; 83662, 83799; 85865, 86008; 87914, 88057; 90656, 90799; 93437, 93580; 95650, 95730; 101887, 101958; 102745, 102816; 106725, 106888; 114627, 114947; 116656, 116937; 117527, 117946; 118530, 118655; 119297, 119449; 120067, 120351; 120439, 122130

37533 102466, 123720 102467, 102707; 104985, 105065; 106372, 106553; 109584, 109693; 110900, 111065; 123251, 123387; 123483, 123967; 124091, 124629; 124727, 125971

37533 26680, 123720 1, 173; 26667, 27880; 59264, 59455; 67546, 67680; 6

8448,68621;82951,83111;85033,85135;85234,85370;86055,86216;86933,87086;90646,908
64;97241,97387;99094,99250;99445,99585;102477,102707;104985,105065;106372,106553
;109584,109693;110900,111065;123251,123387;123483,125981
37533 26680,123720 1,173;26667,27880;59264,59455;67546,67680;6
8448,68621;82951,83111;85033,85135;85234,85370;86055,86216;86987,87086;90646,908
64;97241,97387;99094,99250;99445,99585;102477,102707;104985,105065;106372,106553
;109584,109693;110900,111065;123251,123387;123483,125981
37534 62,12623 1,88;7441,7581;9194,9308;10112,10198;10446,1051
4;10674,10889;11284,11392;11588,11719;11800,11867;12453,12740
37534 62,11436 1,88;7441,7581;9194,9308;10112,10198;10446,1051
4;10674,10889;11284,11719;11800,11867;12453,12740
37535 16433,18582 1,218;16340,16580;17421,17531;17749,17873;18
420,21319
37536 475,79410 1,249;389,511;1627,1802;4868,5003;8400,8473;16
997,17185;17275,17338;22549,22751;25193,25313;27483,27671;27947,28126;28262,2837
4;30289,30368;38673,38808;40297,40455;41684,41811;42031,42154;42711,42915;43526,
43669;43880,44111;47730,47893;49606,49830;51137,51351;52038,52134;63002,63371;66
083,66267;67704,67945;70983,71186;71860,72004;73741,73948;74155,74296;77001,7717
7;78971,79130;79273,79541
37536 475,79410 1,249;389,511;1627,1802;4868,5003;8400,8473;16
997,17185;17275,17338;22549,22751;25193,25313;27483,27671;27947,28126;28262,2837
4;30289,30368;38673,38808;40297,40455;41684,41811;42031,42154;42711,42915;43526,
43669;43880,44111;47730,47893;49606,49830;51137,51351;52038,52134;63002,63371;66
083,66267;67704,67945;70983,71186;71860,72004;73741,73948;74155,74296;77001,7717
7;78971,79130;79273,79542
37537 14181,28021 1,116;10510,10609;14002,14264;16335,16502;17
350,17466;18739,18816;19269,19391;22151,22260;22532,22697;26103,26185;27978,2824
2
37537 14181,28021 1,116;14002,14264;16335,16502;17350,17466;18
739,18816;19269,19391;22151,22260;22532,22697;26103,26185;27978,28242
37537 14181,28021 14001,14264;16335,16502;17350,17466;18739,18
816;19269,19391;22151,22260;22532,22697;26103,26185;27978,28242
37538 620,1138 1,141;611,722;812,1268
37538 620,4801 1,141;611,722;812,965;1582,1704;1892,2022;4715,
5060
37538 620,4801 1,141;611,723;1582,1704;1892,2022;4715,5060
37538 620,4801 92,141;611,722;1274,1277;1582,1704;1892,2022;47
15,5058
37539 1,208 1,207
37540 62,16930 1,269;508,657;3811,3894;4393,4453;4674,4791;154
75,15545;16863,18085
37541 490,13919 110,517;1050,1332;5352,5482;7413,7618;9518,975
0;13720,17820
37541 490,13919 1,517;1050,1332;5352,5482;7413,7618;9518,9750;
13720,17816
37542 26881,61430 1,143;26838,26963;39763,39835;40802,40912;50
543,50684;58908,59060;60960,61748
37542 26881,61430 17340,17543;18611,18762;26838,26963;39763,39
835;40802,40912;50543,50684;58908,59060;60960,61748
37542 26881,61430 17340,17543;26838,26963;39763,39835;40802,40

912;50543,50684;58908,59060;60960,61748

37543 1433,2488 1,65;1406,1622;1738,1821;1957,2033;2127,2190;2
288,3641

37544 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,1682
7;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,
29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;42866,43138;44
255,44437;47768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,5385
7;54989,55258;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,
62747;63694,63960;64054,64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73
990,74100;74443,75611

37544 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,1682
7;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,
29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;42866,43138;44
255,44437;47768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,5385
7;54989,55258;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,
62747;63694,64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74
443,75611

37544 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,1682
7;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,
29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;42866,43138;44
255,44437;47768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,5385
7;54989,55258;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,
62747;63769,63960;64054,64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73
990,74100;74443,75611

37544 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,1682
7;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,
29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;42866,43138;49
111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;54989,55258;56752,5693
9;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;63694,64160;65637,
65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75203

37544 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,1682
7;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,
29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;44255,44437;47
768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;54989,5525
8;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;63694,
63960;64054,64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74
443,75611

37544 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,1682
7;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,
29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;44255,44437;47
768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;54989,5525
8;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;63694,
64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75611

37544 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;

7731, 7889; 10784, 10975; 11744, 11923; 12543, 12719; 13826, 13978; 15268, 15396; 16684, 16827; 21111, 21232; 25955, 26135; 26330, 26506; 27643, 27771; 27872, 27961; 28748, 28942; 29559, 29831; 31414, 31680; 36718, 36812; 38221, 38389; 38846, 38932; 41350, 41541; 44255, 44437; 47768, 47857; 49111, 49380; 51093, 51209; 51885, 52049; 52586, 52741; 53744, 53857; 54989, 55258; 56752, 56939; 57807, 57894; 59395, 59571; 60351, 60440; 60676, 60855; 62658, 62747; 63769, 63960; 64054, 64160; 65637, 65775; 68042, 68206; 70439, 70564; 71084, 71190; 73990, 74100; 74443, 75611

37544 267, 74515 1, 414; 1245, 1373; 2608, 2745; 4105, 4236; 5217, 5354;
7731, 7889; 10784, 10975; 11744, 11923; 12543, 12719; 13826, 13978; 15268, 15396; 16684, 16827; 21111, 21232; 25955, 26135; 26330, 26506; 27643, 27771; 27872, 27961; 28748, 28942; 29559, 29831; 31414, 31680; 36718, 36812; 38221, 38389; 38846, 38932; 41350, 41541; 44255, 44437; 47768, 47857; 49111, 49380; 51093, 51209; 51885, 52049; 52586, 52741; 53744, 53857; 54989, 55258; 56752, 56939; 57807, 57894; 59395, 59571; 60351, 60440; 60676, 60855; 62658, 62747; 64054, 64160; 65637, 65775; 70439, 70564; 71084, 71190; 73990, 74100; 74443, 75207

37544 267, 68057 1, 414; 1245, 1373; 2608, 2745; 4105, 4236; 5217, 5354;
7731, 7889; 10784, 10975; 11744, 11923; 12543, 12719; 13826, 13978; 15268, 15396; 16684, 16827; 21111, 21232; 25955, 26135; 26330, 26506; 27643, 27771; 27872, 27961; 28748, 28942; 29559, 29831; 31414, 31680; 36718, 36812; 38221, 38389; 38846, 38932; 41350, 41541; 44255, 44437; 47768, 47857; 49111, 49380; 51093, 51209; 51885, 52049; 52586, 52741; 53744, 53857; 54989, 55258; 56752, 56939; 57807, 57894; 59395, 59571; 60351, 60440; 60676, 60855; 62658, 62747; 64054, 64160; 68042, 68206; 70439, 70564; 71084, 71190; 73990, 74100; 74443, 75203

37544 267, 74515 1, 414; 1245, 1373; 2608, 2745; 4105, 4236; 5217, 5354;
7731, 7889; 10784, 10975; 11744, 11923; 12543, 12719; 13826, 13978; 15268, 15396; 16684, 16827; 21111, 21232; 25955, 26135; 26330, 26506; 27643, 27771; 27872, 27961; 28748, 28942; 29559, 29831; 31414, 31680; 36718, 36812; 38221, 38389; 38846, 38932; 41350, 41541; 44255, 44437; 47768, 47857; 49111, 49380; 51093, 51209; 51885, 52049; 52586, 52741; 53744, 53857; 54989, 55258; 56752, 56939; 57807, 57894; 59395, 59571; 60351, 60440; 60676, 60855; 62658, 62747; 68042, 68206; 70439, 70564; 71084, 71190; 73990, 74100; 74443, 75207

37544 267, 74515 1, 414; 1245, 1373; 2608, 2745; 4105, 4236; 5217, 5354;
7731, 7889; 10784, 10975; 11744, 11923; 12543, 12719; 13826, 13978; 15268, 15396; 16684, 16827; 21111, 21232; 25955, 26135; 26330, 26506; 27643, 27771; 27872, 27961; 28748, 28942; 29559, 29831; 31414, 31680; 36718, 36812; 38221, 38389; 38846, 38932; 41350, 41541; 44255, 44437; 47768, 47857; 49111, 49380; 51093, 51209; 51885, 52049; 52586, 52741; 53744, 53857; 56752, 56939; 57807, 57894; 59395, 59571; 60351, 60440; 60676, 60855; 62658, 62747; 63694, 64160; 65637, 65775; 68042, 68206; 70439, 70564; 71084, 71190; 73990, 74100; 74443, 75611

37544 267, 74515 1, 414; 1245, 1373; 2608, 2745; 4105, 4236; 5217, 5354;
7731, 7889; 10784, 10975; 11744, 11923; 12543, 12719; 13826, 13978; 15268, 15396; 16684, 16827; 21111, 21232; 25955, 26135; 26330, 26506; 27643, 27771; 27872, 27961; 28748, 28942; 29559, 29831; 31414, 31680; 36718, 36812; 38221, 38389; 38846, 38932; 41350, 41541; 44255, 44437; 47768, 47857; 49111, 49380; 51093, 51209; 51885, 52049; 52586, 52741; 53744, 53857; 56752, 56939; 57807, 57894; 59395, 59571; 60351, 60440; 60676, 60855; 62658, 62747; 63769, 63960; 64054, 64160; 65637, 65775; 68042, 68206; 70439, 70564; 71084, 71190; 73990, 74100; 74443, 75611

37544 267, 74515 1, 414; 1245, 1373; 2608, 2745; 4105, 4236; 5217, 5354;
7731, 7889; 10784, 10975; 11744, 11923; 12543, 12719; 13826, 13978; 15268, 15396; 16684, 16827; 21111, 21232; 25955, 26135; 26330, 26506; 27643, 27771; 27872, 27961; 28748, 28942; 29559, 29831; 31414, 31680; 36718, 36812; 38221, 38389; 38846, 38932; 41350, 41541; 44255, 44437; 47768, 47857; 49111, 49380; 51093, 51209; 51885, 52049; 52586, 52741; 53744, 53857; 56752, 56939; 57807, 57894; 59395, 59571; 60351, 60440; 60676, 60855; 62658, 62747; 64054, 64160; 65637, 65775; 68042, 68206; 70439, 70564; 71084, 71190; 73990, 74100; 74443, 75611

37544 267, 21266 1, 414; 1245, 1373; 2608, 2745; 4105, 4236; 5217, 5354;

7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,1682
 7;21111,21407
 37545 12486,48563 1,62;12466,12498;29232,29353;32577,32696;340
 43,34140;41793,41900;45004,45175;48305,48661
 37545 12486,48563 1,62;12466,12498;29232,29353;32577,32696;340
 43,34140;41793,41900;45004,45175;48305,48668
 37546 22,2159 1,116;2050,2776
 37546 22,2159 1,116;2050,2808
 37547 109,115781 1,362;88826,88941;90163,90336;92409,92570;115
 725,116450
 37547 88827,115781 1,362;88826,88941;90163,90336;92409,92570;1
 15725,116450
 37547 88827,115781 1,362;88826,88941;90163,90336;92409,92570;1
 15725,116452
 37548 115,20871 1,117;2174,2243;5892,6050;6850,6901;20855,2087
 1
 37548 115,8377 1,117;2174,2243;5892,6050;6850,6901;8358,10163
 37549 100,8146 1,103;4384,4606;4747,4895;7172,8249
 37549 100,8252 25,103;4384,4606;4747,4895;7565,7989;8066,8252
 37550 575,10797 1,689;1056,1199;5725,5821;6542,6733;10466,1053
 8;10683,10962
 37551 1402,10864 1,109;1379,1476;1627,1764;4947,5035;6355,6623
 ;7174,7268;7369,7632;8105,8338;8588,8770;10039,10188;10771,11109
 37552 1401,10865 1,109;1379,1476;1627,1764;4947,5035;6354,6622
 ;7174,7268;7369,7632;8107,8340;8590,8772;10041,10190;10773,11111
 37553 72,4770 1,141;2595,2625;2740,2828;3050,3222;4635,5852
 37553 2819,4770 13,141;2096,2162;2595,2625;2740,2828;3050,3222
 ;4635,5852
 37553 2819,4770 14,141;2096,2252;2595,2625;2740,2828;3050,3222
 ;4635,5852
 37553 72,4770 28,141;2595,2625;2740,2828;3050,3222;4635,6464
 37554 135,21791 1,173;8046,8207;9092,9285;10718,10797;12058,12
 195;15090,15259;17195,17285;18091,18271;20786,21013;21652,21828;25731,25862
 37554 135,21791 1,173;8046,8207;9092,9285;10718,10797;12058,12
 195;15090,15259;17195,17285;18091,18271;20786,21013;21652,22826
 37555 1,17516 1,160;2173,2393;17327,17516;34098,34792
 37555 1416,34415 1173,1515;2173,2393;17327,17516;34098,34898
 37555 1416,34415 1173,1515;2173,2393;17327,17516;34098,35209;4
 1211,41607
 37556 11836,30375 11036,11868;13628,13873;14147,14225;14407,14
 441;15111,15131;17533,17550;18925,18945;20145,20336;20697,20894;21048,21252;2132
 9,21407;21528,21687;21804,21908;22382,22573;22659,22775;22993,23145;23742,23902;
 24009,24177;24453,24521;24766,24828;24941,25090;25253,25414;25498,25629;25855,25
 980;26216,26358;26632,26798;28245,28259;28446,28579;28696,28879;29144,29223;2973
 2,29821;30237,30718
 37556 11836,30375 11741,11868;13628,13873;14147,14225;14407,14
 441;15111,15131;17533,17550;18925,18945;20145,20336;20697,20894;21048,21252;2132
 9,21407;21528,21687;21804,21908;22382,22573;22659,22775;22993,23145;23742,23902;
 24009,24177;24453,24521;24766,24828;24941,25090;25253,25414;25498,25629;25855,25
 980;26216,26358;26632,26798;28245,28259;28446,28579;28696,28879;29144,29223;2973

2, 29821; 30237, 30714

37556 17521, 30375 17521, 17550; 18925, 18945; 20145, 20336; 20697, 20
894; 21048, 21252; 21329, 21407; 21528, 21687; 21804, 21908; 22382, 22573; 22659, 22775; 2299
3, 23145; 23742, 23902; 24009, 24177; 24453, 24521; 24766, 24828; 24941, 25090; 25253, 25414;
25498, 25629; 25855, 25980; 26216, 26358; 26632, 26798; 28245, 28259; 28446, 28579; 28696, 28
879; 29144, 29223; 29732, 29821; 30237, 30718

37556 2, 30375 1, 79; 13628, 13873; 14147, 14225; 14407, 14441; 20145, 2
0336; 20697, 20894; 21048, 21252; 21329, 21407; 21528, 21687; 21804, 21908; 22382, 22573; 226
59, 22775; 22993, 23145; 23742, 23902; 24009, 24177; 24453, 24521; 24766, 24828; 24941, 25090
; 25253, 25414; 25498, 25629; 25855, 25980; 26216, 26358; 26632, 26798; 28446, 28579; 28696, 2
8879; 29144, 29223; 29732, 29821; 30237, 30717

37556 76850, 170407 24460, 24521; 24766, 24828; 24941, 25090; 25253, 2
5414; 25498, 25629; 25855, 25980; 26216, 26358; 26632, 26798; 28496, 28579; 28696, 28879; 291
44, 29223; 29732, 29821; 30237, 30460; 30717, 30869; 49336, 49415; 52970, 53018; 57696, 57846
; 63687, 63753; 76848, 76928; 87193, 87384; 105971, 106100; 126609, 126769; 127574, 127726; 1
29641, 129736; 132230, 132285; 135941, 136098; 137167, 137254; 138745, 138899; 139485, 1396
94; 141356, 141530; 143387, 143520; 144566, 144837; 149821, 149879; 152338, 152538; 156659,
156772; 158310, 158471; 159226, 159404; 160565, 160637; 163995, 164063; 164309, 164356; 164
743, 164916; 166878, 167033; 168921, 169005; 170372, 170439; 175657, 175790; 177398, 177471
; 180046, 180263

37556 13646, 30369 48, 79; 13628, 13873; 14147, 14225; 20158, 20336; 20
697, 20894; 21048, 21252; 21329, 21407; 21528, 21687; 21804, 21908; 22382, 22573; 22659, 2277
5; 22993, 23145; 23742, 23902; 24009, 24177; 24453, 24521; 24766, 24828; 24941, 25090; 25253,
25414; 25498, 25629; 25855, 25980; 26216, 26358; 26632, 26798; 28446, 28579; 28696, 28879; 29
144, 29223; 29732, 29821; 30237, 30716

37557 82, 98920 1, 199; 38445, 38612; 51776, 51952; 62614, 62711; 66268
, 66414; 67224, 67348; 74144, 74302; 82853, 82939; 88476, 88649; 98745, 99176

37557 62628, 98920 62629, 62711; 67224, 67348; 68353, 68535; 74144, 74
302; 88476, 88649; 98745, 98920

37557 82, 98920 7, 199; 38445, 38612; 51776, 51952; 62614, 62711; 66268
, 66414; 67224, 67348; 74144, 74302; 82853, 82939; 88476, 88649; 98745, 99176

37557 38538, 98920 83, 199; 38445, 38612; 47625, 47700; 51776, 51952; 6
2614, 62711; 66268, 66414; 67224, 67348; 74144, 74302; 88476, 88649; 98745, 98920

37557 82, 98920 83, 199; 38445, 38612; 51776, 51952; 53757, 53774; 6261
4, 62711; 66268, 66414; 67224, 67348; 68353, 68535; 74144, 74302; 88476, 88649; 98745, 98920

37558 47151, 79136 1, 175; 47144, 47256; 55842, 55913; 57881, 57994; 61
459, 61554; 66429, 66602; 71196, 71354; 74904, 75011; 77664, 77723; 79017, 79909

37558 47151, 79136 1, 62; 70, 175; 47144, 47256; 55842, 55913; 57881, 57
994; 61459, 61554; 66429, 66602; 71196, 71354; 74904, 75011; 77664, 77723; 79017, 79909

37558 47151, 79136 17674, 17924; 47144, 47256; 55842, 55913; 57881, 57
994; 61459, 61554; 66429, 66602; 71196, 71354; 74904, 75011; 77664, 77723; 78705, 79907

37558 61527, 79144 29, 175; 47144, 47256; 55842, 55913; 57881, 57994; 6
1459, 61554; 66429, 66602; 71196, 71354; 74904, 75011; 77664, 77723; 79017, 79046; 79051, 791
07; 79112, 79407

37558 47151, 79136 47146, 47256; 55842, 55913; 57881, 57994; 61459, 61
554; 66429, 66602; 71196, 71354; 74904, 75011; 75226, 75282; 77664, 77723; 78705, 79911

37559 234, 4851 1, 350; 1083, 1160; 1275, 1395; 2004, 2174; 2701, 2802; 4
270, 4473; 4747, 6009

37559 234, 4851 1, 350; 1083, 1160; 1275, 1395; 2004, 2174; 4270, 4473; 4
747, 6009

37560 536,156814 1,830;20482,20551;34463,34470;70297,70323;732
41,73276;78616,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814
;93663,93689;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,1164
30;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,
123994;126735,126749;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133
463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837
;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

37560 536,156814 1,830;20482,20551;34463,34470;70297,70323;732
41,73276;78616,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814
;93663,93689;95588,95644;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446
;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,12
3120;123917,123985;127019,127045;127050,127112;128156,128200;128513,128665;13067
3,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;1
43784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

37560 536,156814 1,830;20482,20551;34463,34470;70297,70323;732
41,73276;78616,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814
;93663,93689;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;1
15402,115446;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,1219
68;123076,123120;123917,123985;127019,127045;127050,127112;128156,128200;128513,
128665;130673,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142
238,142291;143784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

37560 536,156814 1,830;20482,20551;34463,34470;70297,70323;732
41,73276;78616,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814
;93663,93689;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;1
15402,115446;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,1219
68;123076,123120;123917,123985;127019,127045;127050,127112;128156,128200;128513,
128665;130673,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;142238,142291;143
784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

37560 536,156814 1,830;20482,20551;34463,34470;70297,70323;732
41,73276;78616,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814
;93663,93689;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;1
15402,115446;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,1219
68;123076,123120;123917,123985;127019,127045;127050,127112;128156,128200;128513,
128665;130673,130717;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143
784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

37560 536,156814 1,830;20482,20551;34463,34470;70297,70323;732
41,73276;78616,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814
;93663,93689;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;1
15402,115446;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,1219
68;123076,123120;123917,123985;127019,127045;127050,127112;128156,128200;128513,
128665;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143
784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

37560 536,156814 1,830;20482,20551;34463,34470;70297,70323;786
16,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689
;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446
;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,12
3120;123917,123985;127019,127045;127050,127112;128156,128200;128513,128665;13067
3,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;1
43784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

37560 785,156814 1,830;20482,20551;39118,39125;70297,70323;732

41, 73276; 78616, 78666; 85569, 85604; 86417, 86443; 87527, 87553; 92665, 92691; 92788, 92814
; 93663, 93689; 95588, 95644; 100861, 100968; 103046, 103072; 103900, 103935; 115402, 115446
; 116398, 116430; 117175, 117201; 119995, 120048; 120821, 120907; 121915, 121968; 123076, 12
3120; 123917, 123994; 126735, 126749; 127050, 127112; 128156, 128200; 128513, 128665; 13067
3, 130717; 133463, 133504; 134869, 134895; 135748, 135828; 139101, 139136; 142238, 142291; 1
43784, 143837; 145420, 145455; 150995, 151081; 155117, 155155; 156812, 157260
37560 536, 156814 1, 830; 20482, 20551; 58385, 58392; 70297, 70323; 732
41, 73276; 85569, 85604; 86417, 86443; 87527, 87553; 92665, 92691; 92788, 92814; 93663, 93689
; 95588, 95644; 96810, 96875; 100861, 100968; 103046, 103072; 103900, 103935; 115402, 115446
; 116398, 116430; 117175, 117201; 119995, 120048; 120821, 120907; 121915, 121968; 123076, 12
3120; 123917, 123985; 127019, 127045; 127050, 127112; 128156, 128200; 128513, 128665; 13067
3, 130717; 133463, 133504; 134869, 134895; 135748, 135828; 139101, 139136; 142238, 142291; 1
43784, 143837; 145420, 145455; 150995, 151081; 155117, 155155; 156812, 157260
37560 536, 156814 1, 830; 20482, 20551; 58385, 58392; 70297, 70323; 855
69, 85604; 86417, 86443; 87527, 87553; 92665, 92691; 92788, 92814; 93663, 93689; 95588, 95644
; 96810, 96875; 100861, 100968; 103046, 103072; 103900, 103935; 115402, 115446; 116398, 1164
30; 117175, 117201; 119995, 120048; 120821, 120907; 121915, 121968; 123076, 123120; 123917,
123985; 127019, 127045; 127050, 127112; 128156, 128200; 128513, 128665; 130673, 130717; 133
463, 133504; 134869, 134895; 135748, 135828; 139101, 139136; 142238, 142291; 143784, 143837
; 145420, 145455; 150995, 151081; 155117, 155155; 156812, 157260
37560 536, 156814 1, 830; 20482, 20551; 70289, 70323; 73241, 73276; 786
16, 78666; 85569, 85604; 86417, 86443; 87527, 87553; 92665, 92691; 92788, 92814; 93663, 93689
; 100861, 100968; 103046, 103072; 103900, 103935; 115402, 115446; 116398, 116430; 117175, 11
7201; 119995, 120048; 120821, 120907; 121915, 121968; 123076, 123120; 123917, 123985; 12520
0, 125223; 127050, 127112; 128156, 128200; 128513, 128665; 130673, 130717; 133463, 133504; 1
34869, 134895; 135748, 135828; 139101, 139136; 142238, 142291; 143784, 143837; 145420, 1454
55; 150995, 151081; 155117, 155155; 156812, 157260
37560 536, 156814 1, 830; 20482, 20551; 70289, 70323; 73241, 73276; 786
16, 78666; 85569, 85604; 86417, 86443; 87527, 87553; 92665, 92691; 92788, 92814; 93663, 93689
; 95588, 95644; 100861, 100968; 103046, 103072; 103900, 103935; 115402, 115446; 116398, 1164
30; 117175, 117201; 119995, 120048; 120821, 120907; 121915, 121968; 123076, 123120; 123917,
123985; 125200, 125223; 127050, 127112; 128156, 128200; 128513, 128665; 130673, 130717; 133
463, 133504; 134869, 134895; 135748, 135828; 139101, 139136; 142238, 142291; 143784, 143837
; 145420, 145455; 150995, 151081; 155117, 155155; 156812, 157260
37560 536, 156814 1, 830; 20482, 20551; 70289, 70323; 73241, 73276; 786
16, 78666; 85569, 85604; 86417, 86443; 87527, 87553; 92665, 92691; 92788, 92814; 93663, 93689
; 95588, 95644; 100861, 100968; 103046, 103072; 103900, 103935; 115402, 115446; 116398, 1164
30; 117175, 117201; 119995, 120048; 120821, 120907; 121915, 121968; 123076, 123120; 123917,
123985; 125200, 125223; 127050, 127112; 128156, 128200; 128513, 128665; 133463, 133504; 134
869, 134895; 135748, 135828; 142238, 142291; 143784, 143837; 145420, 145455; 150995, 151081
; 155117, 155155; 156812, 157260
37560 536, 156814 1, 830; 20482, 20551; 70289, 70323; 73241, 73276; 786
16, 78666; 85569, 85604; 86417, 86443; 87527, 87553; 92665, 92691; 92788, 92814; 93663, 93689
; 95588, 95644; 96810, 96875; 100861, 100968; 103046, 103072; 103900, 103935; 115402, 115446
; 116398, 116430; 117175, 117201; 119995, 120048; 120821, 120907; 121915, 121968; 123076, 12
3120; 123917, 123985; 125200, 125223; 127050, 127112; 128156, 128200; 128513, 128665; 13067
3, 130717; 133463, 133504; 134869, 134895; 135748, 135828; 139101, 139136; 142238, 142291; 1
43784, 143837; 145420, 145455; 150995, 151081; 155117, 155155; 156812, 157260
37560 536, 156814 1, 830; 20482, 20551; 70289, 70323; 73241, 73276; 786
16, 78666; 85569, 85604; 86417, 86443; 87527, 87553; 92665, 92691; 92788, 92814; 93663, 93689

;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446
;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,12
3120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;13067
3,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;142238,142291;143784,143837;1
45420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260
37560 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;73241,73276;786
16,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689
;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446
;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,12
3120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;13067
3,130717;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837;1
45420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260
37560 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;73241,73276;786
16,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689
;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446
;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,12
3120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;13067
3,130717;134869,134895;135748,135828;142238,142291;143784,143837;145420,145455;1
50995,151081;155117,155155;156812,157260
37560 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;73241,73276;786
16,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689
;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446
;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,12
3120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;13346
3,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837;1
45420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260
37560 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;73241,73276;786
16,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689
;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446
;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,12
3120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;13346
3,133504;134869,134895;135748,135828;142238,142291;143784,143837;145420,145455;1
50995,151081;155117,155155;156812,157260
37560 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;73241,73276;786
16,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689
;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,1164
30;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,
123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133
463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837
;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260
37560 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;73241,73276;786
16,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689
;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,1164
30;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,
123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133
463,133504;134869,134895;135748,135828;142238,142291;143784,143837;145420,145455
;150995,151081;155117,155155;156812,157260
37560 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;73241,73276;855
69,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689;95588,95644
;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,1164

30;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

37560 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;78616,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

37560 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;78616,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

37560 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689;95588,95644;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;133463,133504;134869,134895;135748,135828;142238,142291;143784,143837;145420,145455;155117,155155;156812,157260

37560 536,156814 1,830;20482,20551;70289,70323;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689;95588,95644;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

37560 536,156814 1,830;20482,20551;78608,78666;85569,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

37560 536,156814 1,830;20482,20551;85561,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689;95588,95644;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

37560 536,156814 1,830;20482,20551;85561,85604;86417,86443;87527,87553;92665,92691;92788,92814;93663,93689;96810,96875;100861,100968;103046,103072;103900,103935;115402,115446;116398,116430;117175,117201;119995,120048;120821,120907;121915,121968;123076,123120;123917,123985;125200,125223;127050,127112;128156,128200;128513,128665;130673,130717;133463,133504;134869,134895;135748,135828;139101,139136;142238,142291;143784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

28;139101,139136;142238,142291;143784,143837;145420,145455;150995,151081;155117,155155;156812,157260

37561 4478,36973 1,375;4445,4688;18313,18425;24521,24734;25842,25955;29841,29934;31238,31376;36778,37771

37561 4478,36973 3448,3668;4445,4688;18313,18425;24521,24734;25842,25955;29841,29934;31238,31376;36778,37771

37561 4478,36973 3448,3668;4445,4688;25842,25955;29841,29934;31238,31376;36778,37771

37561 4478,36973 3485,3668;4445,4688;29841,29934;31238,31376;36778,37503

37561 4478,36973 4478,4688;18313,18425;36778,37771

37561 4478,36973 4478,4688;25842,25955;29841,29934;31238,31376;36778,37771

37561 4478,36973 4478,4688;29841,29934;31238,31376;36778,37771

37561 4478,36795 4478,4688;36778,37771

37561 4478,24180 4478,4692;24170,24179

37562 61,26010 1,131;15640,15788;16884,17011;17699,17765;20127,20287;21875,22101;23161,23323;25914,26140;99153,99410;136243,136264

37562 49049,78643 48944,49119;52990,53083;61794,61846;63730,63829;66503,66616;66877,66965;68236,68384;69460,69587;70607,70673;73250,73410;74881,75107;76168,76330;78547,79105

37562 49049,88401 49049,49119;52990,53083;61794,61846;63730,63829;66503,66616;66877,66965;68236,68384;69460,69587;70607,70673;73250,73410;74881,75107;76168,76330;78547,78627;88296,88400

37562 84108,87967 84108,84178;87924,87966

37563 1,1355973 1,141;1231450,1231527;1236777,1236864;1253196,1253362;1254020,1254148;1258716,1258778;1258862,1258912;1260045,1260075;1260588,1260703;1261391,1261517;1263440,1263543;1265479,1265547;1265645,1265688;1266711,1266793;1269980,1270018;1273781,1273905;1275022,1275138;1281539,1281716;1282948,1283072;1285506,1285612;1287980,1288172;1289850,1290005;1293159,1293290;1296380,1296543;1298860,1298974;1301378,1301483;1302957,1303102;1306087,1306260;1307199,1307307;1309047,1309124;1311089,1311270;1311364,1311522;1311640,1311738;1312966,1313127;1315153,1315318;1319003,1319079;1324593,1324604;1325022,1325120;1326889,1327014;1329022,1329177;1329623,1329714;1333101,1333271;1334024,1334172;1336970,1337109;1339577,1339665;1339762,1339857;1342922,1343063;1346122,1346221;1349725,1349915;1352292,1352401;1352768,1352915;1355934,1356505

37563 1180741,1355973 1180653,1180828;1205998,1206053;1210794,1210885;1231419,1231527;1236777,1236864;1253196,1253362;1254020,1254148;1258716,1258778;1258862,1258912;1260045,1260075;1260588,1260703;1261391,1261517;1263440,1263543;1265479,1265547;1265645,1265688;1266711,1266793;1269980,1270018;1273781,1273905;1275022,1275138;1281539,1281716;1282948,1283072;1285506,1285612;1287980,1288172;1289850,1290005;1293159,1293290;1296380,1296543;1298860,1298974;1301378,1301483;1302957,1303102;1306087,1306260;1307199,1307307;1309047,1309124;1311089,1311270;1311364,1311522;1311640,1311738;1312966,1313127;1315153,1315318;1319003,1319079;1322771,1322782;1325022,1325120;1326889,1327014;1329022,1329177;1329623,1329714;1333101,1333271;1334024,1334172;1336970,1337109;1339577,1339665;1339762,1339857;1342922,1343063;1346122,1346221;1349725,1349915;1352292,1352401;1352768,1352915;1355934,1356505

37563 1180741,1355973 1180653,1180828;1205998,1206053;1210794,1210885;1231419,1231527;1236777,1236864;1253196,1253362;1254020,1254148;1258716,

1258778;1258862,1258912;1260045,1260075;1260588,1260703;1261391,1261517;1263440,1263543;1265479,1265547;1265645,1265688;1266711,1266793;1269980,1270018;1273781,1273905;1275022,1275138;1281539,1281716;1282948,1283072;1285506,1285612;1287980,1288172;1289850,1290005;1293159,1293290;1296380,1296543;1298860,1298974;1301378,1301483;1302957,1303102;1306087,1306260;1307199,1307307;1309047,1309124;1311089,1311270;1311364,1311522;1311640,1311738;1312966,1313127;1315153,1315318;1319003,1319079;1324593,1324604;1325022,1325120;1326889,1327014;1329022,1329177;1329623,1329714;1333101,1333271;1334024,1334172;1336970,1337109;1339577,1339665;1339762,1339857;1342922,1343063;1346122,1346221;1349725,1349915;1352292,1352401;1352768,1352915;1355934,1356505

37563 1180741,1355973 1180653,1180828;1205998,1206053;1210794,1210885;1231419,1231527;1236777,1236864;1253196,1253362;1254020,1254148;1258716,1258778;1258862,1258912;1260045,1260075;1260588,1260703;1261391,1261517;1263440,1263543;1265479,1265547;1265645,1265688;1266711,1266793;1273781,1273905;1275022,1275138;1281539,1281716;1282948,1283072;1285506,1285612;1287980,1288172;1289850,1290005;1293159,1293290;1296380,1296543;1298860,1298974;1301378,1301483;1302957,1303102;1306087,1306260;1307199,1307307;1309047,1309124;1311089,1311270;1311364,1311522;1311640,1311738;1312966,1313127;1315153,1315318;1319003,1319079;1322771,1322782;1325022,1325120;1326889,1327014;1329022,1329177;1329623,1329714;1333101,1333271;1334024,1334172;1336970,1337109;1339577,1339665;1339762,1339857;1342922,1343063;1346122,1346221;1349725,1349915;1352292,1352401;1352768,1352915;1355934,1356505

37563 1180741,1355973 1180653,1180828;1205998,1206053;1210794,1210885;1231419,1231527;1236777,1236864;1253196,1253362;1254020,1254148;1258716,1258778;1258862,1258912;1260045,1260075;1260588,1260703;1261391,1261517;1263440,1263543;1265479,1265547;1265645,1265688;1266711,1266793;1273781,1273905;1275022,1275138;1281539,1281716;1282948,1283072;1285506,1285612;1287980,1288172;1289850,1290005;1293159,1293290;1296380,1296543;1298860,1298974;1301378,1301483;1302957,1303102;1306087,1306260;1307199,1307307;1309047,1309124;1311089,1311270;1311364,1311522;1311640,1311738;1312966,1313127;1315153,1315318;1319003,1319079;1324593,1324604;1325022,1325120;1326889,1327014;1329022,1329177;1329623,1329714;1333101,1333271;1334024,1334172;1336970,1337109;1339577,1339665;1339762,1339857;1342922,1343063;1346122,1346221;1349725,1349915;1352292,1352401;1352768,1352915;1355934,1356505

37564 11490,68613 11404,11601;37293,37429;41444,41485;43834,43910;50097,50229;55613,55756;57900,57991;63125,63173;65325,65421;66730,66896;68601,69163

37564 11490,68613 11482,11601;37293,37429;41444,41485;55613,55756;57900,57991;63125,63173;65325,65421;66730,66896;68601,70429

37564 6693,68613 1,47;6674,6818;11490,11601;37293,37429;41444,41485;43834,43910;50097,50229;55613,55756;57900,57991;63125,63173;65325,65421;66730,66896;68601,69163

37564 6693,68613 1,47;6675,6818;11490,11601;37293,37429;41444,41485;43834,43910;50097,50229;55613,55756;57900,57991;63125,63173;65325,65421;66730,66896;68601,69163

37565 16233,204422 1,161;12059,12128;15976,16854;133346,133454;143036,143151;143396,143477;145883,146015;148775,149360;149365,149397;149400,149706;150692,150813;152600,152715;155163,155304;158456,158617;162395,162488;193958,194189;194502,194661;195257,195607;198334,198625;201865,205998

37565 16233,204422 1,161;12059,12128;15976,16854;133346,133454

;143036,143151;143396,143477;145883,146015;148775,149706;150692,150813;152600,152715;155163,155304;158456,158617;162395,162488;193958,194189;194502,194661;195257,195607;198334,198625;201865,205998

37565 16233,204422 12076,12128;15976,16854;133346,133454;143036,143151;143396,143477;145883,146015;148775,149706;150692,150813;152600,152715;155163,155304;158456,158617;162395,162488;193958,194189;194502,194661;195257,195607;198334,198625;201865,204422

37566 55,60252 1,128;17982,18105;20152,20330;23723,23866;28450,28601;43932,44113;53776,53944;54910,55091;56992,57143;60107,64294

37567 4478,36973 1,375;4445,4688;18313,18425;24521,24734;25842,25955;29841,29934;31238,31376;36778,37771

37567 4478,36973 3448,3668;4445,4688;18313,18425;24521,24734;25842,25955;29841,29934;31238,31376;36778,37771

37567 4478,36973 3448,3668;4445,4688;25842,25955;29841,29934;31238,31376;36778,37771

37567 4478,36973 3485,3668;4445,4688;29841,29934;31238,31376;36778,37503

37567 4478,36973 4478,4688;18313,18425;36778,37771

37567 4478,36973 4478,4688;25842,25955;29841,29934;31238,31376;36778,37771

37567 4478,36973 4478,4688;29841,29934;31238,31376;36778,37771

37567 4478,36795 4478,4688;36778,37771

37567 4478,24180 4478,4692;24170,24179

37568 92,5557 1,235;3193,3244;3823,3927;3997,4158;4242,4403;4491,4646;4925,6058

37568 92,5557 8,235;3193,3244;3823,3927;3997,4158;4242,4403;4491,4646;4925,6058

37568 92,5557 8,235;3193,3244;3823,3927;3997,4162;5427,6058

37568 92,5557 8,235;3193,3244;3823,3927;3997,4167;5432,5557

37569 83,128154 1,129;282,419;124994,125266;127129,127173;128048,128155;129097,129637

37569 40505,41855 84,129;282,579;26645,26666;27621,27678;40471,40749;41313,41378;41743,41861

37570 68,32488 1,134;10247,10418;12043,12153;13132,13262;14145,14249;14856,14981;17066,17257;17720,17872;22306,22444;25160,25290;29343,29450;32013,32096;32423,33115

37571 1,510 1,237;242,317;345,472;474,509

37571 22965,27500 22761,23086;23184,23415;23782,23919;24558,24670;24760,25150;25264,25501;25783,25950;26937,29236

37572 16,33756 1,29;10006,10143;12331,12539;13443,13559;15339,15393;16026,16160;21315,21452;21548,21721;27339,27567;28145,28242;30942,31155;31889,31944;32771,32876;33163,33235;33676,35741

37573 682,6787 1,107;683,751;4037,4150;4465,4666;5896,5952;6741,7043

37573 682,6787 1,107;683,751;4037,4150;4465,4666;5896,5952;6741,7048

37573 216,6787 217,348;683,751;4037,4150;4465,4666;5896,5952;6741,7043

37574 1632,8760 1,92;1610,1760;2937,3090;8632,9282

37575 22713,56702 1,126;22713,22779;25671,25756;28227,28449;30

007,30177;32162,32400;34531,34686;35536,35631;35925,36014;37886,38026;38187,38386;46147,46385;46601,46823;47816,48048;49737,49903;56636,57879
 37575 22713,51203 22713,22779;25671,25756;28227,28449;30007,30177;32162,32400;34531,34686;35536,35631;35925,36014;37886,38026;38187,38386;46147,46385;46601,46823;47816,48048;49737,49903;51128,51208;56636,56704
 37575 22713,56667 22713,22779;25671,25756;28227,28449;30007,30177;32162,32400;34531,34686;35536,35631;35925,36014;37886,38026;38187,38386;46147,46385;46601,46823;47816,48048;49737,49903;51691,51806;56636,56704
 37575 22713,56667 22713,22779;25671,25756;28227,28449;30007,30177;32162,32400;34531,34686;35536,35631;35925,36014;37886,38026;38187,38386;46147,46385;46601,46823;47816,48048;49737,49903;51709,51806;56636,56704
 37575 22713,49943 22713,22779;25671,25756;28227,28449;30007,30177;32162,32400;34531,34686;35536,35631;35925,36014;37886,38026;38187,38386;46147,46385;46601,46823;47816,48048;49737,50960
 37575 22713,56702 377,512;22713,22779;25671,25756;28227,28449;30007,30177;32162,32400;34531,34686;35536,35631;35925,36014;37886,38026;38187,38386;46147,46385;46601,46823;47816,48048;49737,49903;56636,56701
 37575 22713,56667 52,126;22713,22779;25671,25756;28227,28449;30007,30177;32162,32400;34531,34686;35536,35631;35925,36014;37886,38026;38187,38386;46147,46385;46601,46823;47816,48048;49737,49903;51709,51806;56636,57871
 37576 51,9910 1,171;4660,4715;4830,4969;5072,5196;5690,5855;6834,6949;7074,7209;7537,7665;7874,7984;8093,8734;9197,9303;9474,9566;9752,10241
 37576 51,9910 52,171;4660,4715;4830,4969;5072,5196;5690,5855;6834,6979;7074,7209;7537,7665;7874,7984;8093,8734;9197,9303;9474,9566;9752,11511
 37577 1,135418 1,176;8434,8531;10495,10598;11321,11450;11569,11708;12200,12302;12438,12579;12984,13108;16692,16816;17709,17768;17871,18061;22709,22808;22948,23085;23592,23709;24963,25150;26074,26233;26353,26438;31029,31198;32506,32788;33522,33657;35216,35295;35802,35930
 37577 1,135418 1,176;8434,8531;10495,10598;11321,11450;11569,11708;12200,12302;12438,12579;12984,13108;16692,16816;17709,17768;17871,18061;22709,22808;22948,23085;23592,23709;24963,25150;26074,26233;26353,26438;31029,31198;32506,32788;33522,33657;35216,35295;35802,35930
 37578 16106,68148 1,42;445,524;16049,16156;23019,23112;28829,28909;31747,31939;35388,35490;36452,36548;36759,36863;39218,39340;39431,39551;43857,43944;46865,46971;48793,48917;49010,49099;49190,49363;52456,52674;54385,54468;56207,56339;56429,56550;58572,58668;60368,60540;61856,61967;62052,62107;63055,63177;64811,65030;65907,66135;67318,67459;68062,70621
 37578 16106,68148 20,42;445,524;16049,16156;23019,23112;28829,28909;31747,31939;35388,35490;36452,36548;36759,36863;39218,39340;39431,39551;43857,43944;46865,46971;48793,48917;49010,49099;49190,49363;52456,52674;54385,54468;56207,56339;56429,56550;58572,58673;58679,58697;60386,60540;61856,61967;62052,62107;63055,63177;64811,65030;65907,66135;67318,67459;68062,68207
 37578 16106,68148 445,524;16049,16156;23019,23112;28829,28909;31747,31939;35388,35490;36452,36548;36759,36863;39218,39340;39431,39551;43857,43944;46865,46971;48793,48917;49010,49099;49190,49363;52456,52674;54385,54468;56207,56339;56429,56550;58572,58673;58679,58697;60386,60540;61856,61967;62052,62107;63055,63177;64811,65030;65907,66135;67318,67459;68062,70621
 37579 1799,5205 1,1855;4245,5210;5928,6130
 37579 1799,5205 1669,1855;4245,7079
 37580 620,204908 1,245;577,664;786,840;50189,50269;117451,1175

85;117670,117714;121184,121300;122602,122673;123118,123153;123262,123324;125042,125077;127118,127159;128986,129084;130719,130754;131335,131385;132506,132550;138546,138599;139515,139581;142396,142506;143022,143171;150060,150152;151488,151651;154831,154903;154995,155101;158122,158323;158720,158779;159757,159813;161934,162041;165646,165867;170720,170881;172937,173107;175233,175376;177622,177744;178372,178553;182162,182225;182428,182502;183950,184057;184787,184894;185928,185999;188059,188184;194385,194501;195838,195999;196100,196198;196564,196710;196865,196981;199132,199323;200652,200938;204651,205741

37580 117450,196709 1,245;577,664;786,840;50189,50269;117451,17585;121184,121199;143022,143171;154995,155101;158122,158323;161961,162041;165655,165867;170747,170881;172937,173107;175269,175376;184796,184894;188059,188184;195838,195999;196100,196198;196564,196710;196865,196981;199132,199323;200652,200938;204651,205741

37580 142370,199250 142371,142506;143022,143171;151536,151651;158122,158323;161934,162041;165673,165867;170720,170881;172937,173107;175269,175376;178372,178553;184822,184894;195838,196072;196107,196198;196564,196710;196865,196981;199132,199323;200652,200938;204651,205741

37580 142376,178553 142377,142506;143073,143171;151515,151651;158122,158323;165646,165867;170720,170881;172973,173107;175233,175376;178372,178553

37580 142391,204899 142392,142449;143022,143171;151554,151651;158122,158323;170747,170881;184787,184894;199150,199323;200652,200938;204651,205741

37580 182462,204899 182463,182502;199177,199323;200652,200938;204651,205741

37581 620,204908 1,245;577,664;786,840;50189,50269;117451,117585;121184,121199;128986,129084;130719,130754;131335,131385;132506,132550;138546,138599;139515,139581;142396,142506;143022,143171;150060,150152;151488,151651;154831,154903;154995,155101;158122,158323;158720,158779;159757,159813;161934,162041;165646,165867;170720,170881;172937,173107;175233,175376;177622,177744;178372,178553;182162,182225;182428,182502;183950,184057;184787,184894;185928,185999;188059,188184;194385,194501;195838,195999;196100,196198;196564,196710;196865,196981;199132,199323;200652,200938;204651,205741

37581 117450,196709 1,245;577,664;786,840;50189,50269;117451,17585;121184,121199;143022,143171;154995,155101;158122,158323;161961,162041;165655,165867;170747,170881;172937,173107;175269,175376;184796,184894;188059,188184;195838,195999;196100,196198;196564,196710;196865,196981;199132,199323;200652,200938;204651,205741

37581 142370,199250 142371,142506;143022,143171;151536,151651;158122,158323;161934,162041;165673,165867;170720,170881;172937,173107;175269,175376;178372,178553;184822,184894;195838,196072;196107,196198;196564,196710;196865,196981;199132,199323;200652,200938;204651,205741

37581 142376,178553 142377,142506;143073,143171;151515,151651;158122,158323;165646,165867;170720,170881;172973,173107;175233,175376;178372,178553

37581 142391,204899 142392,142449;143022,143171;151554,151651;158122,158323;170747,170881;184787,184894;199150,199323;200652,200938;204651,205741

37581 182462,204899 182463,182502;199177,199323;200652,200938;

204651, 205741

37582 59, 107407 1, 207; 13572, 13768; 16058, 16180; 18730, 18851; 1895
4, 19012; 19777, 19863; 20789, 20915; 21248, 21392; 21711, 21856; 22106, 22211; 22292, 22399;
32300, 32418; 35372, 35465; 38555, 38621; 45406, 45433; 46347, 46404; 47488, 47594; 47807, 47
884; 48231, 48275; 48636, 48749; 49763, 49893; 50589, 50674; 52112, 52319; 61128, 61252; 6171
0, 61816; 70045, 70113; 70849, 70939; 77608, 77750; 77873, 77981; 83448, 83574; 90226, 90314;
94482, 94686; 96401, 96540; 96672, 96787; 99298, 99372; 101377, 101461; 106130, 106272; 1073
50, 108258

37582 59, 107407 1, 207; 13572, 13768; 16058, 16180; 18730, 18851; 1895
4, 19012; 19777, 19863; 20789, 20915; 21248, 21392; 21711, 21856; 22106, 22211; 22292, 22399;
32300, 32418; 35372, 35465; 38555, 38621; 45406, 45433; 46347, 46404; 47488, 47594; 47807, 47
884; 48231, 48275; 48636, 48749; 49763, 49893; 50589, 50674; 52112, 52319; 61128, 61252; 6171
0, 61816; 70045, 70113; 70849, 70939; 77608, 77750; 77873, 78005; 83448, 83574; 90226, 90314;
94482, 94686; 96401, 96540; 96672, 96787; 99298, 99372; 101377, 101461; 106130, 106272; 1073
50, 108258

37582 16076, 107407 16076, 16090; 16093, 16180; 18730, 18851; 18954, 1
9012; 19777, 19863; 20789, 20915; 21248, 21334; 21339, 21365; 21368, 21392; 21711, 21856; 221
06, 22211; 22292, 22399; 32300, 32418; 35372, 35465; 38555, 38621; 45406, 45433; 46347, 46404
; 47488, 47594; 47807, 47884; 48231, 48275; 48636, 48749; 49763, 49893; 50589, 50674; 52112, 5
2319; 61128, 61252; 61710, 61816; 70045, 70113; 70849, 70939; 77608, 77750; 77873, 78005; 834
48, 83574; 90226, 90314; 94482, 94686; 96401, 96540; 96672, 96787; 99298, 99372; 101377, 1014
61; 106130, 106272; 107350, 108261

37583 429, 4440 1, 129; 321, 482; 1727, 1902; 2007, 2094; 2212, 2358; 247
3, 2658; 3750, 3890; 4278, 4512

37583 429, 4440 1, 129; 381, 482; 1727, 1902; 2007, 2094; 2212, 2358; 247
3, 2658; 3750, 3890; 4278, 4512

37584 42902, 111298 1117, 1339; 42737, 42919; 66644, 66682; 86466, 865
61; 95766, 95931; 100842, 101016; 104633, 104770; 104922, 105034; 109011, 109151; 110189, 11
0344; 110710, 110813; 110983, 111947

37584 66644, 111298 1117, 1339; 42737, 42919; 66644, 66682; 86466, 865
61; 95766, 95931; 100842, 101016; 104633, 104770; 104922, 105034; 109011, 109151; 110189, 11
0344; 110710, 110813; 110983, 111947

37584 1319, 111298 1117, 1339; 66644, 66682; 86466, 86561; 95766, 9593
1; 100842, 101016; 104633, 104770; 104922, 105034; 109011, 109151; 110189, 110344; 110710, 1
10813; 110983, 111947

37584 66644, 111298 1117, 1339; 66644, 66682; 86466, 86561; 95766, 959
31; 100842, 101016; 104633, 104770; 104922, 105034; 109011, 109151; 110189, 110344; 110710,
110813; 110983, 111947

37584 165, 111298 1, 179; 66644, 66682; 86466, 86561; 95766, 95931; 100
842, 101016; 104633, 104770; 104922, 105034; 109011, 109151; 110189, 110344; 110710, 110813
; 110983, 111947

37584 1047, 111298 1, 179; 991, 1106; 66644, 66682; 86466, 86561; 95766
, 95931; 100842, 101016; 104633, 104770; 104922, 105034; 109011, 109151; 110189, 110344; 110
710, 110813; 110983, 111947

37584 90387, 111298 90388, 90406; 95858, 95931; 100842, 101016; 10463
3, 104770; 104922, 105034; 109011, 109151; 110189, 110344; 110710, 110813; 110983, 111475

37585 72, 4770 1, 141; 2595, 2625; 2740, 2828; 3050, 3222; 4635, 5852

37585 2819, 4770 13, 141; 2096, 2162; 2595, 2625; 2740, 2828; 3050, 3222
; 4635, 5852

37585 2819, 4770 14, 141; 2096, 2252; 2595, 2625; 2740, 2828; 3050, 3222

;4635,5852

37585 72,4770 28,141;2595,2625;2740,2828;3050,3222;4635,6464

37586 85,156750 1,168;64378,64437;93097,93186;93286,93330;9449

4,94538;94633,94695;95190,95243;95439,95465;96900,96983;97070,97132;97685,97720;
98222,98263;99623,99709;100221,100247;100397,100447;101574,101618;101706,101759;
103505,103546;105590,105674;106223,106258;108481,108645;111994,112089;114199,114
282;114828,114898;119783,119974;120559,120727;123836,123928;124015,124119;125723
,125820;127691,127841;128076,128189;128881,129048;129181,129270;130075,130227;13
0388,130486;130599,130688;131755,131894;132363,132489;132586,132666;133114,13321
2;134342,134392;136380,136565;137350,137483;139882,139954;140809,140880;142122,1
42250;143551,143649;144670,144882;145743,145920;151715,151829;154606,154778;1566
68,158148

37587 85,156750 1,168;64378,64437;93097,93186;93286,93330;9449

4,94538;94633,94695;95190,95243;95439,95465;96900,96983;97070,97132;97685,97720;
98222,98263;99623,99709;100221,100247;100397,100447;101574,101618;101706,101759;
103505,103546;105590,105674;106223,106258;108481,108645;111994,112089;114199,114
282;114828,114898;119783,119974;120559,120727;123836,123928;124015,124119;125723
,125820;127691,127841;128076,128189;128881,129048;129181,129270;130075,130227;13
0388,130486;130599,130688;131755,131894;132363,132489;132586,132666;133114,13321
2;134342,134392;136380,136565;137350,137483;139882,139954;140809,140880;142122,1
42250;143551,143649;144670,144882;145743,145920;151715,151829;154606,154778;1566
68,158148

37588 16,112847 1,18;30353,30443;34052,34164;35289,35486;41475

,41634;44799,44876;54857,55310;58599,58725;65181,65290;76060,76168;77451,77543;7
8981,79050;85536,85695;89622,89714;93922,94066;98334,98480;99378,99567;103707,10
3862;104887,105001;105170,105341;106677,106838;109439,109537;109696,109926;11274
5,113405

37588 16,112847 4,18;30353,30443;34052,34164;35289,35486;41475

,41634;44799,44876;54857,55310;58599,58725;65181,65290;76060,76168;77451,77543;7
8981,79050;85536,85695;89622,89714;93922,94066;98334,98480;99378,99567;103707,10
3862;104887,105001;105170,105341;106677,106838;109439,109537;109696,109926;11274
5,113405

37589 202,7689 1,205;3037,3067;4231,4374;6670,6678;6834,6940;7

351,7486;7661,7779;8064,11023

37589 202,7689 1,205;3037,3067;4231,4374;6834,6940;7351,7486;7

661,7779;8064,11023

37589 202,7689 5,205;3037,3067;4231,4374;6834,6940;7351,7486;7

661,7765;8050,11023

37590 202,7689 1,205;3037,3067;4231,4374;6670,6678;6834,6940;7

351,7486;7661,7779;8064,11023

37590 202,7689 1,205;3037,3067;4231,4374;6834,6940;7351,7486;7

661,7779;8064,11023

37590 202,7689 5,205;3037,3067;4231,4374;6834,6940;7351,7486;7

661,7765;8050,11023

37591 10763,112978 1,201;10294,10392;10763,10916;11671,11858;5

5030,55129;112970,113317

37591 13186,30118 13186,18222;26269,30117

37591 10763,112978 62,201;10293,10392;10762,10916;11671,11858;

55030,55129;112970,113319

37592 2707,19725 1,736;2661,2713;2890,2933;5950,6054;10937,110

17;11983,12114;12407,12578;16142,16314;16816,16917;17585,17795;19516,20789
37592 2707,19725 1,736;2662,2713;2890,2933;5950,6054;10937,110
17;11983,12114;12407,12578;16142,16314;16816,16917;17585,17795;19516,20789
37592 2707,19725 658,736;2662,2713;2890,2933;5950,6054;10937,1
1017;11983,12114;12407,12578;16142,16314;16816,16917;17585,17795;19516,20781
37593 32,4953 1,131;3716,3961;4302,4583;4798,4964;8255,8585
37594 32,4953 1,131;3716,3961;4302,4583;4798,4964;8255,8585
37595 26004,27916 1,84;26004,26258;27814,29136
37595 40,27916 1,84;26004,26258;27814,29145
37596 26004,27916 1,84;26004,26258;27814,29136
37596 40,27916 1,84;26004,26258;27814,29145
37597 155,41113 1,127;151,237;6493,6595;11765,11793;12385,1250
3;13743,13917;20044,20137;27995,28049;28797,28961;30646,30773;34475,34577;37174,
37305;38409,38611;40975,43281
37597 155,41113 54,237;6493,6595;11765,11793;12385,12503;13743
,13917;20044,20137;27995,28049;28797,28961;30646,30773;34475,34577;37174,37305;3
8409,38611;40975,43281
37598 155,41113 1,127;151,237;6493,6595;11765,11793;12385,1250
3;13743,13917;20044,20137;27995,28049;28797,28961;30646,30773;34475,34577;37174,
37305;38409,38611;40975,43281
37598 155,41113 54,237;6493,6595;11765,11793;12385,12503;13743
,13917;20044,20137;27995,28049;28797,28961;30646,30773;34475,34577;37174,37305;3
8409,38611;40975,43281
37599 268,18855 1,703;7807,8016;8918,9059;9208,9349;10374,1054
2;12000,12126;12222,12324;12583,12703;14669,14765;14898,15022;17605,17641;17854,
17957;18179,18351;18783,19271
37599 990,18855 929,999;7807,8016;8918,9059;9208,9349;10374,10
542;12000,12126;12222,12324;12583,12703;14669,14765;14898,15022;17605,17641;1785
4,17957;18179,18351;18783,19272
37600 0,332704 1,577;16257,16460;332316,332704
37600 263260,276589 263174,263268;265176,265206;269324,269399;
269799,269971;270055,270201;270295,270465;270592,270702;270776,270950;271255,271
332;272171,272319;273632,273665;274123,274215;274309,274525;276306,276383;276457
,278090
37600 263179,276589 263174,263268;265176,265206;269324,269399;
269799,269971;270055,270201;270295,270465;270592,270702;270776,270950;271276,271
332;272171,272319;273632,273665;274123,274215;274309,274525;276306,276383;276457
,278090
37600 263260,276589 263174,263268;265176,265206;269324,269399;
269799,269971;270055,270201;270295,270465;270592,270702;270776,270950;271276,271
332;272171,272319;273632,273665;274123,274215;274309,274525;276306,276383;276457
,278090
37600 263179,276589 263174,263268;265176,265206;269324,269399;
269799,269971;270055,270201;270295,270465;270592,270702;270776,270950;272171,272
319;273632,273665;274123,274215;274309,274525;276306,276383;276457,278090
37600 263260,276589 263174,263268;265176,265206;269324,269399;
269799,269971;270055,270201;270295,270465;270592,270702;270776,270950;272171,272
319;273632,273665;274123,274215;274309,274525;276306,276383;276457,278090
37600 263179,276589 263174,263268;265176,265206;273632,273665;
274123,274215;274309,274525;276306,276383;276457,278090

37600 263260, 276589 263174, 263268; 265176, 265206; 273632, 273665;
274123, 274215; 274309, 274525; 276306, 276383; 276457, 278090
37601 10774, 45215 1, 206; 10763, 10843; 21482, 21565; 37725, 37785; 45
043, 45214
37602 52, 13605 1, 114; 1723, 1833; 2145, 2216; 3479, 3559; 3888, 3973; 4
060, 4221; 4560, 4663; 5023, 5198; 5284, 5441; 6186, 6270; 6596, 6743; 6926, 7062; 7265, 7477; 7
725, 7904; 9334, 9416; 9541, 9615; 9859, 9942; 10021, 10192; 10709, 10813; 10894, 11085; 11385
, 11573; 11690, 11829; 11914, 12148; 12280, 12434; 12520, 12580; 12680, 12808; 12892, 12998; 1
3082, 13187; 13323, 13388; 13470, 13901
37603 52, 13605 1, 114; 1723, 1833; 2145, 2216; 3479, 3559; 3888, 3973; 4
060, 4221; 4560, 4663; 5023, 5198; 5284, 5441; 6186, 6270; 6596, 6743; 6926, 7062; 7265, 7477; 7
725, 7904; 9334, 9416; 9541, 9615; 9859, 9942; 10021, 10192; 10709, 10813; 10894, 11085; 11385
, 11573; 11690, 11829; 11914, 12148; 12280, 12434; 12520, 12580; 12680, 12808; 12892, 12998; 1
3082, 13187; 13323, 13388; 13470, 13901
37604 104, 9055 1, 275; 3182, 3319; 3428, 3510; 3607, 3664; 3746, 3853; 5
751, 5906; 6469, 6558; 6680, 6753; 6833, 6890; 7325, 7429; 8762, 8959; 9044, 9112; 9342, 9509
37604 104, 9055 1, 275; 3182, 3319; 3428, 3510; 3607, 3664; 3746, 3853; 5
751, 5906; 6469, 6558; 6680, 6753; 6833, 6890; 7325, 7429; 8762, 8959; 9044, 9112; 9342, 9516
37605 100, 42659 1, 229; 27471, 27642; 36480, 36658; 38008, 38087; 4183
5, 41912; 42039, 42215; 42316, 42393; 42497, 43164
37606 200, 5517 1, 335; 567, 1744; 3254, 3337; 5511, 10228
37606 290, 5517 1, 335; 567, 1744; 3254, 3337; 5511, 10228
37607 15, 61123 1, 115; 37136, 37335; 42862, 43034; 43378, 43575; 44310
, 44501; 44927, 45249; 45861, 46188; 49730, 50349; 51565, 51677; 51928, 52198; 53599, 53712; 5
4560, 54931; 56724, 57008; 59579, 59682; 60989, 61938
37607 1975, 61123 1902, 1982; 22498, 22716; 37136, 37335; 42862, 43034
, 43378, 43575; 44310, 44501; 44927, 45249; 45861, 46188; 49730, 50349; 51565, 51677; 51928, 5
2198; 53599, 53712; 54560, 54931; 56724, 57008; 59579, 59682; 60989, 64788
37608 434, 90464 1, 501; 37706, 37871; 41405, 41538; 47963, 48031; 5096
6, 51196; 57877, 58005; 59252, 59377; 62213, 62326; 62802, 62918; 65643, 65771; 67243, 67374;
69236, 69337; 71096, 71185; 72377, 72580; 75983, 76045; 80447, 80518; 82785, 82863; 90260, 93
521
37608 434, 90464 1, 501; 37706, 37871; 41405, 41538; 47963, 48031; 5096
6, 51196; 57877, 58005; 59252, 59377; 62213, 62326; 62802, 62918; 65643, 65771; 67243, 67374;
69236, 69337; 71096, 71185; 72377, 72580; 75983, 76045; 80447, 80518; 82785, 82863; 90260, 93
532
37608 434, 90464 1, 501; 37706, 37871; 41405, 41538; 47963, 48031; 5096
6, 51196; 59252, 59377; 62213, 62326; 62802, 62918; 65643, 65771; 67243, 67374; 69236, 69337;
71096, 71185; 72377, 72580; 75983, 76045; 80447, 80518; 82785, 82863; 90260, 93521
37608 434, 90464 1, 501; 37706, 37871; 41405, 41538; 47963, 48031; 5096
6, 51196; 59252, 59377; 62213, 62326; 62802, 62918; 65643, 65771; 67243, 67374; 69236, 69337;
71096, 71185; 72377, 72580; 75983, 76045; 80447, 80518; 82785, 82863; 90260, 93532
37608 434, 90464 1, 501; 37706, 37871; 41405, 41538; 47963, 48031; 5096
6, 51196; 69236, 69337; 71096, 71185; 72377, 72580; 75983, 76045; 80447, 80518; 82785, 82863;
90260, 93521
37608 434, 90464 1, 501; 37706, 37871; 41405, 41538; 47963, 48031; 5096
6, 51196; 69236, 69337; 71096, 71185; 72377, 72580; 75983, 76045; 80447, 80518; 82785, 82863;
90260, 93532
37608 434, 90464 1, 501; 37706, 37871; 41405, 41538; 47963, 48031; 5096
6, 51196; 75983, 76045; 80447, 80518; 82785, 82863; 90260, 93521

37608 434,90464 1,501;37706,37871;41405,41538;47963,48031;5096
 6,51196;75983,76045;80447,80518;82785,82863;90260,93532
 37608 434,90418 1,501;37706,37871;82836,82863;90260,93521
 37608 434,90418 1,501;37706,37871;82836,82863;90260,93532
 37609 60,3840 1,61;768,996;2200,2392;2715,2861;2959,3155;3462,
 3609;3717,3839
 37609 769,78095 769,996;2200,2392;2715,2861;2959,3155;3462,360
 9;3717,3838;77154,77180;77182,77310;77315,78094
 37609 77322,78095 7,732,278,413
 37610 102277,203585 101893,102386;142591,142742;155660,155833;
 159706,159797;161107,161187;161577,161692;164899,165011;165799,165986;166978,167
 095;168303,168461;169431,169733;171596,171749;172432,173302;173391,173528;174354
 ,175110;176065,176267;181212,181302;186482,186628;187822,188085;188728,188952;18
 9427,189516;189693,189974;190630,190760;192485,192689;193114,193488;197108,19735
 2;198569,198707;199413,199497;201349,201545;202653,202765;203435,203956
 37610 69917,212068 1,17;69871,70065;142591,142742;155660,15583
 3;159706,159797;161107,161187;161577,161692;164899,165011;165799,165986;166978,1
 67095;168303,168461;169431,169733;171596,171749;172432,173302;173391,173528;1743
 54,175110;176065,176267;181212,181302;186482,186628;187822,188085;188728,188952;
 189427,189516;189693,189974;190630,190760;192485,192683;193071,193076;193114,193
 488;197108,197352;198569,198707;199413,199497;201349,201545;202653,202765;203435
 ,203498;207952,208190;209414,209587;211103,211145;211850,212224
 37610 69917,212068 69869,70065;142591,142742;155660,155833;159
 706,159797;161107,161187;161577,161692;164899,165011;165799,165986;166978,167095
 ;168303,168461;169431,169733;171596,171749;172432,173302;173391,173528;174354,17
 5110;176065,176267;181212,181302;186482,186628;187822,188085;188728,188952;18942
 7,189516;189693,189974;190630,190760;192485,192689;193114,193488;197108,197352;1
 98569,198707;199413,199497;201349,201545;202653,202765;203435,203498;207952,2081
 90;209414,209587;211103,211145;211850,212224
 37610 69917,212068 760,806;69871,70065;142591,142742;155660,15
 5833;159706,159797;161107,161187;161577,161692;164899,165011;165799,165986;16697
 8,167095;168303,168461;169431,169733;171596,171749;172432,173302;173391,173528;1
 74354,175110;176065,176267;181212,181302;186482,186628;187822,188085;188728,1889
 52;189427,189516;189693,189974;190630,190760;192485,192683;193071,193076;193114,
 193488;197108,197352;198569,198707;199413,199497;201349,201545;202653,202765;203
 435,203498;207952,208190;209414,209587;211103,211145;211850,212068
 37611 23,85683 1,455;32286,32355;35173,37826;40316,40493;41478
 ,41712;43685,43749;45226,45603;45933,46006;47694,47825;48373,48486;52125,52271;5
 3303,53398;53640,53760;54707,54820;55255,55439;56568,56741;57799,57909;58205,582
 78;59211,59404;59772,59878;61447,61584;61881,62039;62814,62931;63346,63424;64498
 ,64658;65183,65368;65909,70157;71040,71120;72647,72711;73459,73629;75462,75536;8
 3129,83303;83468,83575;84313,84396;84799,84928;85408,88732
 37611 23,36107 24,455;2535,2633;32286,32355;35173,36107
 37611 23,85683 24,455;32286,32355;35173,37826;40316,40493;4147
 8,41712;43685,43749;45226,45603;45933,46006;47694,47825;48373,48486;52125,52271;
 53303,53398;53640,53760;54707,54820;55255,55439;56568,56741;57799,57909;58205,58
 278;59211,59404;59772,59878;61447,61584;61881,62039;62814,62931;63346,63424;6449
 8,64658;65183,65368;65909,70157;71040,71120;72647,72711;73459,73629;75462,75536;
 83129,83307;83472,83575;84313,84396;84799,84928;85408,85683
 37611 23,85683 24,455;32286,32355;35173,37826;40316,40493;4147

8,41712;43685,43749;45226,45603;45933,46006;47694,47825;52125,52271;53303,53398;
53640,53760;54707,54820;55255,55439;56568,56741;57799,57909;58205,58278;59211,59
404;59772,59878;61447,61584;61881,62039;62814,62931;63346,63424;64498,64658;6518
3,65368;65909,70157;71040,71120;72647,72711;73459,73629;75462,75536;83129,83307;
83472,83575;84313,84396;84799,84928;85408,88207

37611 32285,85683 32286,32355;35173,35615;35620,35811;35814,37
826;40316,40493;41478,41712;43685,43749;45226,45603;45933,46006;47694,47825;4837
3,48486;52125,52271;53303,53398;53640,53760;54707,54820;55255,55439;56568,56741;
57799,57909;58205,58278;59211,59404;59772,59878;61447,61584;61881,62039;62814,62
931;63346,63424;64498,64658;65183,65368;65909,70157;71040,71120;72647,72711;7345
9,73629;75462,75536;83129,83307;83472,83575;84313,84396;84799,84928;85408,85683

37611 978,1823 740,1091;1529,2669

37611 978,1823 979,1125;1127,1131;1571,1823

37612 2043,16840 1,112;1944,2155;2986,3163;3515,3614;3704,3776
;4425,4568;4714,4865;5046,5125;5274,5416;6026,6116;6236,6452;7019,7493;8398,8588
;8802,9099;9845,10055;10393,12246;12633,12901;13113,13243;13490,13619;13726,1381
1;14007,14231;14386,14526;14648,14719;14836,15003;15221,15303;15463,15673;15764,
15862;15987,16199;16296,16390;16488,16578;16700,17014

37612 2043,16840 74,112;1981,2155;2867,2870;2986,3040;3045,316
3;3515,3614;3704,3776;4425,4568;4714,4865;5046,5125;5274,5416;6026,6116;6236,645
2;7019,7493;8398,8588;8802,9099;9845,10055;10393,11071;11076,11333;11338,11367;1
1369,11389;11391,11423;11428,11454;11459,12246;12633,12901;13113,13243;13490,136
19;13726,13811;14007,14231;14386,14526;14648,14719;14836,15003;15221,15232;15235
,15267;15272,15303;15463,15673;15764,15862;15987,16199;16296,16390;16488,16578;1
6700,17014

37612 2043,16840 74,112;1981,2155;2986,3163;3515,3614;3704,377
6;4425,4568;4714,4865;5046,5125;5274,5416;6026,6116;6236,6398;6435,6452;7019,749
3;8398,8588;8802,9099;9845,10055;10393,12246;12633,12901;13113,13243;13490,13619
;13726,13811;14007,14231;14386,14526;14648,14719;14836,15003;15221,15303;15463,1
5673;15764,15862;15987,16199;16296,16390;16488,16578;16700,17014

37612 2043,16840 74,112;1981,2155;2986,3163;3515,3614;3704,377
6;4425,4568;4714,4865;5046,5125;5274,5416;6026,6116;6236,6452;7019,7493;8398,858
8;8802,9099;9845,10055;10393,12246;12633,12901;13113,13243;13490,13619;13726,138
11;14007,14231;14386,14526;14648,14719;14836,15003;15221,15303;15463,15673;15764
,15862;15987,16199;16296,16390;16488,16578;16700,17014

37613 338,357042 1,903;312320,312472;316913,317046;346019,3462
11;348877,349008;349925,352906;353227,353353;356436,360569

37613 338,357042 339,903;312320,312472;316913,317046;346019,34
6211;348877,349008;349925,352906;353227,353353;356436,357042

37614 93,5501 1,203;2375,2861;4683,4823;5343,5950

37615 93,5501 1,203;2375,2861;4683,4823;5343,5950

37616 9,12605 1,80;1338,1540;1831,1910;2151,2233;3894,3988;563
2,5732;6292,6555;7358,7450;7896,8014;8169,8259;8385,8447;11173,11317;12436,13101

37616 9,12605 5,80;1338,1540;1831,1910;2151,2233;3894,3988;563
2,5732;6292,6555;7358,7450;7896,8014;8169,8259;8385,8447;11173,11317;12436,13101

37617 97,22260 1,194;881,1010;2516,2716;4773,4932;5191,5319;54
02,5422;5746,5766;5857,5901;7331,7384;7855,7899;7999,8025;8505,8531;8625,8669;90
20,9073;9226,9288;10257,10319;10410,10464;10610,10645;10995,11057;12414,12476;15
668,15730;15947,16009;16368,16418;16645,16680;17144,17206;17400,17465;17904,1793
9;18578,18614;19006,19014;19500,19633;20208,20317;20465,20648;20774,20957;21367,

21396;21638,22330;22385,23295

37617 97,22260 1,194;881,1010;2516,2716;4773,4932;5191,5319;54
02,5422;5746,5766;5857,5901;7331,7384;7855,7899;7999,8025;8505,8531;8625,8669;90
20,9073;9226,9288;10257,10319;10411,10464;10610,10645;10995,11057;12414,12476;15
668,15730;15947,16009;16368,16418;16645,16680;17144,17206;17400,17465;17904,1793
9;18578,18614;19006,19014;19500,19633;20208,20317;20465,20648;20774,20957;21367,
21396;21638,22323;22378,23295

37618 278,34503 1,308;1741,1905;34162,36392

37619 218499,284309 1,262;89605,89655;218499,218723;246760,246
903;250425,250478;260154,260246;263020,263080;267035,267088;267209,267301;268483
,268615;281942,282030;282508,282580;284254,284428

37619 218499,284299 188096,188311;218499,218723;246760,246903;
260154,260246;263020,263080;267035,267088;267209,267301;268483,268615;272359,272
398;281942,282030;282508,282580;284254,284558

37619 188285,284309 188119,188311;218499,218723;246757,246903;
250425,250478;260154,260246;263020,263080;267035,267088;267209,267301;268483,268
615;281942,282030;282508,282580;284254,284903

37619 218499,284299 188119,188311;218499,218723;246760,246903;
250425,250478;260154,260246;263020,263080;267035,267088;267209,267305;267978,267
985;268483,268615;272359,272398;281942,282030;282508,282580;284254,284903

37619 188285,284309 188122,188311;218499,218723;246757,246903;
250425,250478;260154,260246;263020,263080;267035,267088;267209,267301;268483,268
615;281942,282030;282508,282580;284254,284901

37620 36,49058 1,154;16291,16360;20262,20361;28407,28544;36975
,37018;38892,38997;44580,44652;46379,46461;48960,51032

37621 0,60074 1,110;668,1014;6667,6720;12065,12195;18241,18394
;23853,23936;27168,27216;28776,28986;29997,30069;30271,30410;38493,38610;39062,3
9185;39265,39420;41248,41320;41855,43021;44136,44333;45915,46092;48519,48700;487
90,48864;51086,51167;52102,52206;52451,52629;53364,53429;53991,54222;55030,55194
;56693,56838;59910,61728;71468,71616;71786,72715

37621 41940,60074 18288,18394;23853,23936;27168,27216;31404,31
452;33072,33084;38525,38610;39062,39185;41248,41329;41906,41965;42678,43021;4591
5,46092;48519,48700;48790,48864;51086,51167;52102,52206;52451,52629;53364,53429;
53991,54213;55030,55194;56693,56838;59910,61728;71468,71616;71786,72721

37621 41940,60074 33069,33084;38525,38610;39062,39185;41248,41
329;41906,41965;42678,43021;45915,46092;48519,48700;48790,48864;51086,51167;5210
2,52206;52451,52629;53364,53429;53991,54213;55030,55194;56693,56838;59910,61728;
71468,71616;71786,72715

37621 64341,85027 64306,64385;71468,71616;77872,78014;83841,83
889;84840,88100

37622 359,19737 1,778;2004,2099;3749,3979;12273,12295;14903,15
018;15151,15183;16729,16755;19326,19437;19718,19736

37622 359,19922 1,778;2004,2099;3749,3979;12273,12295;14903,15
018;15151,15183;16729,16755;19326,19921

37622 359,19737 3,778;2004,2099;3749,3979;12273,12295;14903,15
018;15151,15183;16729,16755;19326,19437;19718,20988

37622 359,19922 3,778;2004,2099;3749,3979;12273,12295;14903,15
018;15151,15183;16729,16755;19326,20988

37623 305,38348 1,453;1019,1077;33352,33516;33826,33921;38193,
39546

37623	311,38348	1,453;1019,1077;33352,33516;33826,33921;38193,39546
37624	359,19737	1,778;2004,2099;3749,3979;12273,12295;14903,15018;15151,15183;16729,16755;19326,19437;19718,19736
37624	359,19922	1,778;2004,2099;3749,3979;12273,12295;14903,15018;15151,15183;16729,16755;19326,19921
37624	359,19737	3,778;2004,2099;3749,3979;12273,12295;14903,15018;15151,15183;16729,16755;19326,19437;19718,20988
37624	359,19922	3,778;2004,2099;3749,3979;12273,12295;14903,15018;15151,15183;16729,16755;19326,20988
37625	305,38348	1,453;1019,1077;33352,33516;33826,33921;38193,39546
37625	311,38348	1,453;1019,1077;33352,33516;33826,33921;38193,39546
37626	305,38348	1,453;1019,1077;33352,33516;33826,33921;38193,39546
37626	311,38348	1,453;1019,1077;33352,33516;33826,33921;38193,39546
37627	221,30078	1,500;668,791;1106,1224;6425,6552;6789,6897;6985,7100;7614,7649;8508,8588;9520,9645;10515,10634;10967,11043;11340,11493;13535,13672;29844,30725
37627	1179,30078	1,500;668,791;1106,1224;6425,6552;6789,6897;6985,7100;7614,7649;9520,9645;10515,10622;10949,11043;11340,11493;13535,13672;29844,30725
37627	1179,30078	190,791;1106,1224;6425,6552;6789,6897;6985,7100;7614,7649;9520,9645;10515,10622;10949,11043;11340,11493;13535,13672;29844,30728
37628	21916,56358	1,554;745,927;21878,22027;28233,28360;34804,34863;38117,38296;41380,41514;44854,45012;46136,46249;46670,46769;46855,46939;48466,48652;49969,50088;51851,51953;53143,53231;53509,53630;56288,57348
37628	21916,56358	16748,16974;21878,22027;28233,28360;34804,34863;38117,38296;41380,41514;44854,45012;46136,46249;46670,46769;46855,46939;48466,48652;49969,50088;51851,51953;53143,53231;53509,53630;56288,57348
37628	21808,56358	20446,22027;28233,28360;34804,34863;38117,38296;41380,41514;44854,45012;46136,46249;46670,46769;46855,46939;48466,48652;49969,50088;51851,51953;53143,53231;53509,53630;56288,57345
37629	21916,56358	1,554;745,927;21878,22027;28233,28360;34804,34863;38117,38296;41380,41514;44854,45012;46136,46249;46670,46769;46855,46939;48466,48652;49969,50088;51851,51953;53143,53231;53509,53630;56288,57348
37629	21916,56358	16748,16974;21878,22027;28233,28360;34804,34863;38117,38296;41380,41514;44854,45012;46136,46249;46670,46769;46855,46939;48466,48652;49969,50088;51851,51953;53143,53231;53509,53630;56288,57348
37629	21808,56358	20446,22027;28233,28360;34804,34863;38117,38296;41380,41514;44854,45012;46136,46249;46670,46769;46855,46939;48466,48652;49969,50088;51851,51953;53143,53231;53509,53630;56288,57345
37630	148,1936	11,179;888,1051;1198,1299;1892,2751
37630	148,1936	1,179;888,1051;1198,1299;1892,2751
37631	7339,50321	1123,1202;7319,7399;8062,8185;9544,9714;18438,18563;20809,22154;24712,24984;25418,25558;25664,25801;28899,29054;32397,32507;32668,32757;35760,35900;37306,37446;37578,37680;38862,39156;39241,39331;41434,415

80;43570,43686;43938,44040;49103,49188;49358,49390;50181,51529

37631 7318,50321 1,175;6797,6953;7319,7399;8062,8185;9544,9714
;18438,18563;20809,22154;24712,24984;25418,25558;25664,25801;28899,29054;32397,3
2507;32668,32757;35760,35900;37306,37446;37578,37680;38862,39156;39241,39331;414
34,41580;43570,43686;43938,44040;49103,49188;49358,49390;50181,51529

37631 7339,50321 1,175;6797,6953;7319,7399;8062,8185;9544,9714
;18438,18563;20809,22154;24712,24984;25418,25558;25664,25801;28899,29054;32397,3
2507;32668,32757;35760,35900;37306,37446;37578,37680;38862,39156;39241,39331;414
34,41580;43570,43686;43938,44040;49103,49188;49358,49390;50181,51529

37631 7318,50321 1,175;6797,6953;7319,7399;8062,8185;9544,9714
;18438,18563;20809,22154;24712,24984;25418,25558;25664,25801;28899,29054;32397,3
2507;32668,32757;37306,37446;37578,37680;38862,39156;39241,39331;41434,41580;435
70,43686;43938,44040;49103,49188;50181,51529

37631 25669,50321 25481,25558;25664,25801;28428,28463;28468,28
557;28899,29054;32397,32507;32668,32757;37306,37446;37578,37680;38862,39156;3924
1,39331;41434,41580;43570,43686;43938,44040;49103,49188;50181,51523

37632 56645,113294 1,659;56182,56838;71597,71794;72900,73157;7
3646,73771;74238,74363;77092,77253;80449,80663;81302,81544;82741,82982;84317,845
48;85400,85579;86605,86692;87611,87717;93989,94180;94637,94850;95918,96129;97321
,97428;100835,101011;106663,106770;112986,117519

37632 56645,113294 240,659;56182,56838;71597,71794;72900,73157
;73646,73771;74238,74363;75484,75519;77092,77253;80449,80663;81302,81544;82741,8
2982;84317,84548;85400,85579;86605,86692;87611,87717;93989,94180;94637,94850;959
18,96129;97321,97428;100835,101011;106663,106770;112986,117519

37632 56645,113011 240,659;56182,56838;71597,71794;72900,73157
;73646,73771;74238,74363;75484,75519;77092,77253;80449,80663;81302,81544;82741,8
2982;84317,84548;85400,85579;86605,86692;87611,87717;93989,94180;94637,94850;959
18,96129;97321,97428;100835,101011;106663,106840;112986,117519

37632 56645,113294 240,659;56182,56838;71597,71794;72900,73157
;73646,73771;74238,74363;75484,75519;77092,77253;80449,80663;81302,81544;82741,8
2982;84317,84548;85400,85579;86605,86692;87611,87717;93989,94180;94637,94850;959
18,96129;97321,97428;100835,101011;112986,117519

37632 56645,113011 56645,56838;71597,71794;72900,73157;73646,7
3771;74238,74363;75484,75519;77092,77253;80449,80663;81302,81544;82741,82982;843
17,84548;85400,85579;86605,86692;87611,87717;93989,94180;94637,94850;95918,96129
;97321,97428;100835,101011;106663,106840;112986,113084;113204,117519

37633 56645,113294 1,659;56182,56838;71597,71794;72900,73157;7
3646,73771;74238,74363;77092,77253;80449,80663;81302,81544;82741,82982;84317,845
48;85400,85579;86605,86692;87611,87717;93989,94180;94637,94850;95918,96129;97321
,97428;100835,101011;106663,106770;112986,117519

37633 56645,113294 240,659;56182,56838;71597,71794;72900,73157
;73646,73771;74238,74363;75484,75519;77092,77253;80449,80663;81302,81544;82741,8
2982;84317,84548;85400,85579;86605,86692;87611,87717;93989,94180;94637,94850;959
18,96129;97321,97428;100835,101011;106663,106770;112986,117519

37633 56645,113011 240,659;56182,56838;71597,71794;72900,73157
;73646,73771;74238,74363;75484,75519;77092,77253;80449,80663;81302,81544;82741,8
2982;84317,84548;85400,85579;86605,86692;87611,87717;93989,94180;94637,94850;959
18,96129;97321,97428;100835,101011;106663,106840;112986,117519

37633 56645,113294 240,659;56182,56838;71597,71794;72900,73157
;73646,73771;74238,74363;75484,75519;77092,77253;80449,80663;81302,81544;82741,8

2982;84317,84548;85400,85579;86605,86692;87611,87717;93989,94180;94637,94850;95918,96129;97321,97428;100835,101011;112986,117519

37633 56645,113011 56645,56838;71597,71794;72900,73157;73646,73771;74238,74363;75484,75519;77092,77253;80449,80663;81302,81544;82741,82982;84317,84548;85400,85579;86605,86692;87611,87717;93989,94180;94637,94850;95918,96129;97321,97428;100835,101011;106663,106840;112986,113084;113204,117519

37634 0,286854 1,191;3416,3489;232672,232916;239877,240067;247720,247855;252168,252327;260250,260362;261715,261804;286762,290518

37635 0,106775 1,202;36379,36455;40625,40752;42363,42513;45849,45970;49698,49847;51648,51785;55465,55543;64175,64310;66356,66523;71907,72021;72921,72972;74727,74899;75226,75301;80019,80180;80809,80940;82074,82141;83455,83582;92286,92377;97639,97687;98483,98586;99116,99165;106670,109402

37635 40645,106775 35781,35824;36379,36455;40625,40752;42363,42513;45849,45970;49698,49847;51648,51785;55465,55543;64175,64310;66356,66523;71907,72021;72921,72972;74727,74899;75226,75301;80019,80180;80809,80940;82074,82141;83455,83582;92286,92377;97639,97687;98483,98586;99116,99165;106670,109402

37636 0,106775 1,202;36379,36455;40625,40752;42363,42513;45849,45970;49698,49847;51648,51785;55465,55543;64175,64310;66356,66523;71907,72021;72921,72972;74727,74899;75226,75301;80019,80180;80809,80940;82074,82141;83455,83582;92286,92377;97639,97687;98483,98586;99116,99165;106670,109402

37636 40645,106775 35781,35824;36379,36455;40625,40752;42363,42513;45849,45970;49698,49847;51648,51785;55465,55543;64175,64310;66356,66523;71907,72021;72921,72972;74727,74899;75226,75301;80019,80180;80809,80940;82074,82141;83455,83582;92286,92377;97639,97687;98483,98586;99116,99165;106670,109402

37637 0,286854 1,191;3416,3489;232672,232916;239877,240067;247720,247855;252168,252327;260250,260362;261715,261804;286762,290518

37638 618,115895 15,678;99827,99938;108742,108875;114682,114817;115732,118116

37638 618,115895 1,678;99827,99938;108742,108875;114682,114817;115732,118156

37639 152,47552 1,224;8344,8409;16745,16809;17138,17180;19097,19191;20449,20547;20942,21034;23605,23788;29735,29855;29967,30087;34453,34582;38439,38581;40768,40911;41392,41533;41656,41742;42073,42146;42489,42587;43192,43309;43819,43947;44577,44679;44910,44955;45824,45973;46139,46273;46532,46623;47476,49589

37639 152,47552 1,224;8344,8409;16745,16809;17138,17180;19097,19191;20449,20547;20942,21034;23605,23788;29735,29855;29967,30087;34453,34582;38439,38581;40768,40911;41392,41533;41656,41742;42073,42146;42489,42587;43192,43309;43819,43947;44577,44679;44910,44955;45824,45973;46139,46273;46532,46623;47476,49603

37639 152,47552 152,224;8344,8409;16207,16239;16745,16809;17138,17180;19097,19191;20449,20547;20942,21034;23605,23788;29735,29855;29967,30087;34453,34582;38439,38581;40768,40911;41392,41533;41656,41742;42073,42146;42489,42587;43192,43309;43819,43947;44577,44679;44910,44955;45824,45973;46139,46273;46532,46623;47476,47551

37640 618,115895 15,678;99827,99938;108742,108875;114682,114817;115732,118116

37640 618,115895 1,678;99827,99938;108742,108875;114682,114817;115732,118156

37641 32004,38687 11018,11399;32004,32132;32231,32410;32542,32

616;32693,32764;32902,32982;33150,33239;33349,33435;33573,33659;33754,33813;3389
3,34026;34132,34186;34437,34488;37514,37647;38124,38360;38546,38881

37641 9605,12404 11,167;5913,5997;9583,15961

37641 9605,12404 11,167;5913,5997;9583,15968

37641 9605,12404 11,167;5945,5997;9583,15968

37641 32004,38687 1,125;32004,32132;32231,32410;32542,32616;32
693,32764;32902,32982;33150,33239;33349,33435;33573,33659;33754,33813;33893,3402
6;34132,34186;34437,34488;37514,37647;38124,38360;38546,38881

37641 32004,38687 1,125;9583,9725;32004,32132;32231,32410;3254
2,32616;32693,32764;32902,32982;33150,33239;33349,33435;33573,33659;33754,33813;
33893,34026;34132,34186;34437,34488;37514,37647;38124,38360;38546,38881

37641 32004,38687 1,167;32004,32132;32231,32410;32542,32616;32
693,32764;32902,32982;33150,33239;33349,33435;33573,33659;33754,33813;33893,3402
6;34132,34186;34437,34488;37514,37647;38124,38360;38546,38881

37641 32004,38687 1,167;5913,5997;32004,32132;32231,32410;3254
2,32616;32693,32764;32902,32982;33150,33239;33349,33435;33573,33659;33754,33813;
33893,34026;34132,34186;34437,34488;37514,37647;38124,38360;38546,38881

37641 32004,38687 1,167;5913,5997;9583,9725;32004,32132;32231,
32410;32542,32616;32693,32764;32902,32982;33150,33239;33349,33435;33573,33659;33
754,33813;33893,34026;34132,34186;34437,34488;37514,37647;38124,38360;38546,3888
1

37641 32004,38687 1,167;5945,5997;32004,32132;32231,32410;3254
2,32616;32693,32764;32902,32982;33150,33239;33349,33435;33573,33659;33754,33813;
33893,34026;34132,34186;34437,34488;37514,37647;38124,38360;38546,38881

37641 32004,38687 1,167;5945,5997;9583,9725;32004,32132;32231,
32410;32542,32616;32693,32764;32902,32982;33150,33239;33349,33435;33573,33659;33
754,33813;33893,34026;34132,34186;34437,34488;37514,37647;38124,38360;38546,3888
1

37641 9605,12404 39,167;9583,14785

37642 146,543341 1,239;47578,47698;49131,49216;53284,53355;557
71,55860;56666,56732;58164,58204;58995,59033;62996,63065;63366,63901;534047,5341
60;543279,543341

37642 462010,509788 461877,462231;479054,479199;479619,479808;
480791,480936;484801,484990;492944,493089;500600,500786;504552,504697;507113,507
276;509612,511367

37643 258,1236 1,1261;1976,4553

37643 258,1236 16,3645;3655,4726;4741,6229

37644 37377,63411 1,178;37355,37635;40935,41162;47277,47474;54
327,54525;56496,56596;58877,58966;61650,61733;63373,64115

37645 278,2361 1,31;259,382;546,687;897,1070;1654,1710;2203,27
59

37645 278,2361 42,382;546,687;897,1070;1654,1710;2203,2759

37645 278,2361 5,31;259,382;546,687;897,1070;1654,1710;2203,38
60

37646 258,1236 1,1261;1976,4553

37646 258,1236 16,3645;3655,4726;4741,6229

37647 56,137847 1,179;32918,32995;35219,35284;83910,84061;8882
5,88909;93427,93658;95124,95283;99835,99973;100764,100877;103244,103300;104527,1
04595;107352,107441;111514,111623;115640,116210;118448,118564;128926,129073;1299
06,130023;131124,131283;132501,132620;133634,133720;134458,134620;137211,137296;

137815,137877;142031,142767

37647 56,142102 1,179;32918,32995;35219,35284;83910,84061;8882
5,88909;93427,93658;95124,95283;99835,99973;100764,100877;103244,103300;104527,1
04595;107352,107441;111514,111623;115640,116210;118448,118564;128926,129073;1299
06,130023;131124,131283;132501,132620;133634,133720;134458,134620;137211,137296;
142031,142764

37647 121868,142102 121868,125123;128926,129073;129906,130023;
131124,131283;132501,132620;133634,133720;134458,134620;137211,137296;142031,142
764

37647 125971,142781 125972,126309;142685,142781

37647 88873,142102 88874,88909;93427,93658;95124,95283;99835,9
9973;103244,103300;104527,104595;107352,107441;111514,111623;115640,116210;11844
8,118564;128926,129073;129906,130023;131124,131283;132501,132620;133634,133720;1
34458,134620;137211,137296;142031,142762

37648 238,1214 1,486;1061,1382

37649 39,14489 1,182;1314,1374;5405,5490;9234,9347;12188,12241
;12435,12479;14447,15499

37649 39,61730 4,182;1314,1374;5405,5490;9234,9347;12188,12241
;12435,12479;29270,29387;33706,33767;35822,36005;37018,37117;40131,40224;42177,4
2247;44619,44725;45668,45726;46528,46631;53302,53375;53795,53856;55059,55114;556
04,55634;61688,62901

37649 18,61730 4,182;1314,1374;5405,5490;9234,9347;12188,12241
;12435,12479;29270,29387;33706,33767;35822,36005;37018,37117;40131,40224;42177,4
2275;44647,44725;45668,45726;46528,46631;53302,53375;53795,53856;55059,55114;556
04,55634;61688,62901

37650 140,13611 1,142;4757,4834;12453,12582;13549,14237

37650 140,13611 1,142;4757,4834;7099,7212;12453,12582;13549,14
237

37650 140,17968 1,142;4757,4834;7099,7212;12453,12582;17948,18
308

37650 140,13555 1,142;4757,4834;7099,7212;13549,14237

37650 140,13611 1,142;7099,7212;12453,12582;13549,14237

37651 17586,28969 1,211;6060,6146;8484,8642;11489,11546;13802,
13901;15971,16101;17507,17621;19692,19769;27432,27550;27737,27827;28469,28564;28
888,28981;30516,30667;32725,32885

37651 13824,32833 1,211;6060,6146;8484,8642;11489,11546;13802,
13901;15971,16101;17507,17621;27432,27550;27737,27827;28469,28564;28888,28981;30
516,30667;32725,32885

37651 8495,32833 1,211;6060,6146;8484,8642;11489,11546;13802,1
3901;15971,16101;17507,17621;27432,27550;27737,27827;28469,28564;28888,28981;305
16,30667;32725,34588

37651 13824,32833 426,795;6060,6146;8484,8642;11489,11546;1380
2,13901;15971,16101;17507,17621;27432,27550;27737,27827;28469,28564;28888,28981;
30516,30667;32725,34606

37651 792,32833 426,795;6060,6146;8484,8642;11489,11546;13802,
13901;15971,16101;17507,17621;27432,27550;27737,27827;28469,28564;28888,28981;30
516,30667;32725,34606

37651 462,32833 426,795;6060,6150;8405,8406;8484,8639;11489,11
546;13802,13901;15971,16101;17507,17621;27432,27550;27737,27827;28469,28564;2888
8,28981;30516,30667;32725,34606

37651 6026,32833 5976,6146;8484,8642;11489,11546;13802,13901;1
5971,16101;17507,17621;27432,27550;27737,27827;28469,28564;28888,28981;30516,306
67;32725,34588

37652 569,83036 125,434;502,707;42474,42631;55032,55309;55706,
55763;67434,67610;82910,84821;85051,85319

37652 569,83036 1,436;504,707;42474,42631;55032,55309;55706,55
763;67434,67610;82910,84823

37652 569,83036 1,707;42474,42631;55032,55309;55706,55763;6743
4,67610;82910,84823

37653 148,1936 11,179;888,1051;1198,1299;1892,2751

37653 148,1936 1,179;888,1051;1198,1299;1892,2751

37654 569,83036 125,434;502,707;42474,42631;55032,55309;55706,
55763;67434,67610;82910,84821;85051,85319

37654 569,83036 1,436;504,707;42474,42631;55032,55309;55706,55
763;67434,67610;82910,84823

37654 569,83036 1,707;42474,42631;55032,55309;55706,55763;6743
4,67610;82910,84823

37655 180,50508 1,1490;17292,17468;20100,20231;20547,20647;207
38,20867;22257,22434;22586,22694;23150,23252;28386,28490;30964,31053;31257,31350
;32329,32483;33074,33225;33878,33977;34071,34210;34975,35142;35220,35310;35516,3
5779;35884,36033;36862,36976;39014,39121;39215,39327;40188,40292;40802,40932;412
81,41479;43579,43725;43876,44032;44916,45019;45110,45173;46096,46130;46385,46489
;47036,47199;48244,48391;49596,49736;50128,50202;50391,51644

37655 1,50508 1,78;81,1490;17292,17468;20100,20231;20547,20647
;20738,20867;22257,22434;22586,22694;23150,23252;28386,28490;30964,31053;31257,3
1350;32329,32483;33074,33225;33878,33977;34071,34210;34975,35142;35220,35310;355
16,35779;35884,36033;36862,36976;39014,39121;39215,39327;40188,40292;40802,40932
;41281,41479;43579,43725;43876,44032;44916,45019;45110,45173;46096,46130;46385,4
6489;47036,47199;48244,48391;49596,49736;50128,50202;50391,51644

37656 69,4985 1,500;1546,1628;2067,2223;2824,2985;3487,3612;36
99,3919;4020,4042;4890,5138

37656 69,4985 21,500;1546,1628;2067,2223;2824,2985;3487,3612;3
699,3919;4020,4042;4890,5135

37657 42,70968 1,376;46757,46849;47306,47380;52969,53100;53895
,54096;54294,54373;65626,65728;66468,66566;66670,66850;67076,67201;67903,68045;6
8515,68691;68787,68855;69538,69708;70779,75186

37657 62102,70968 61791,62118;65626,65728;66468,66566;66670,66
850;67076,67201;67903,68045;68515,68691;68787,68855;69538,69708;70779,71938

37657 62102,70968 61791,62118;65626,65728;66468,66566;66670,66
850;67076,67201;67903,68045;68515,68691;68787,68855;69538,69708;70779,75186

37657 64095,70968 64034,64201;65626,65728;66468,66566;66670,66
850;67076,67201;67903,68045;68515,68691;68787,68855;69538,69708;70779,75186

37658 42,70968 1,376;46757,46849;47306,47380;52969,53100;53895
,54096;54294,54373;65626,65728;66468,66566;66670,66850;67076,67201;67903,68045;6
8515,68691;68787,68855;69538,69708;70779,75186

37658 62102,70968 61791,62118;65626,65728;66468,66566;66670,66
850;67076,67201;67903,68045;68515,68691;68787,68855;69538,69708;70779,71938

37658 62102,70968 61791,62118;65626,65728;66468,66566;66670,66
850;67076,67201;67903,68045;68515,68691;68787,68855;69538,69708;70779,75186

37658 64095,70968 64034,64201;65626,65728;66468,66566;66670,66

850;67076,67201;67903,68045;68515,68691;68787,68855;69538,69708;70779,75186
37659 114798,122647 114685,114923;116682,117326;119952,120156;
122504,125522
37659 114810,122647 114685,114923;116682,117326;119952,120156;
122504,125522
37659 2,92466 1,77;12237,12323;26001,26156;29576,29668;33747,3
3858;37668,37822;40402,40527;41581,41709;45663,45742;47408,47513;69418,69501;829
36,83036;92370,92642;113902,114923
37659 2,92466 1,77;12237,12323;26001,26156;29576,29668;33747,3
3860;37670,37822;40402,40527;41581,41709;45663,45742;47408,47513;69418,69501;829
36,83036;92370,92642;113902,114923
37660 6640,10349 1,88;6634,6788;7842,8001;10217,13933
37660 8,10349 1,88;6634,6788;7842,8001;10217,13933
37661 23783,57513 1607,1671;23724,24253;27364,27411;28728,2878
1;29620,29671;34370,34503;37954,37990;42505,42526;42671,42759;44837,45036;45595,
45648;48275,48348;48435,48522;49575,49703;53069,53169;57440,60615
37661 23783,54186 1,770;23724,24253;27364,27411;28728,28781;29
620,29671;34370,34503;37954,37990;42505,42526;42671,42759;44837,45036;45595,4564
8;48275,48348;48435,48522;49575,49703;53069,53169;53694,53736;54180,54720
37661 557,54186 1,770;23724,24253;27364,27411;28728,28781;2962
0,29671;34370,34503;37954,37990;42505,42526;42671,42759;44837,45036;45595,45648;
48275,48348;48435,48522;49575,49703;53069,53169;53694,53736;54180,54720
37661 23783,57611 1,770;23724,24253;27364,27411;28728,28781;29
620,29671;34370,34503;37954,37990;42505,42526;42671,42759;44837,45036;45595,4564
8;48275,48348;48435,48522;49575,49703;53069,53169;53694,53736;57440,60615
37661 23783,57513 1,770;23724,24253;27364,27411;28728,28781;29
620,29671;34370,34503;37954,37990;42505,42526;42671,42759;44837,45036;45595,4564
8;48275,48348;48435,48522;49575,49703;53069,53169;57440,60615
37661 23783,54186 1,770;23724,24253;27364,27411;28728,28781;29
620,29671;34370,34503;37954,37990;42505,42526;42671,42759;44837,45036;45595,4564
8;48275,48348;48435,48522;53069,53169;53694,53736;54180,54720
37661 23783,57611 1,770;23724,24253;27364,27411;28728,28781;29
620,29671;34370,34503;37954,37990;42505,42526;42671,42759;44837,45036;45595,4564
8;48275,48348;48435,48522;53069,53169;53694,53736;57440,60615
37661 23783,57513 1,770;23724,24253;27364,27411;28728,28781;29
620,29671;34370,34503;37954,37990;42505,42526;42671,42759;44837,45036;45595,4564
8;48275,48348;48435,48522;53069,53169;57440,60615
37662 521,384662 1,611;108377,108438;139297,139386;141701,1417
78;143921,144013;172859,173025;192422,192534;192634,192740;194977,195096;197484,
197579;197673,197800;201163,201256;201565,201719;203061,203523;203609,203737;203
893,203970;204055,204216;204303,204407;207014,2071
37662 521,384662 1,611;108377,108438;139297,139386;141701,1417
78;143921,144013;172859,173025;192422,192534;192634,192740;194977,195096;197484,
197579;197673,197800;201163,201256;201565,201719;203061,203523;203609,203737;203
893,203970;204055,204216;204303,204407;207014,2071
37662 200878,228150 200776,201044;201163,201256;201565,201719;
203061,203523;203609,203737;203893,203970;204055,204216;204303,204407;207014,207
109;207952,208077;208713,208865;209050,209204;209408,209534;210629,210812;211626
,211783;212277,212455;213283,213421;214223,214416;215505,215667;216379,216462;21
8402,218509;219038,219136;222951,225680;226248,229069

37662 200878, 239839 200776, 201044; 201163, 201256; 201565, 201719;
203061, 203523; 203609, 203737; 203893, 203970; 204055, 204216; 204303, 204407; 207014, 207
109; 207952, 208077; 208713, 208865; 209050, 209204; 209408, 209534; 210629, 210812; 211626
, 211783; 212277, 212455; 213283, 213421; 214223, 214416; 215505, 215667; 216379, 216462; 21
8402, 218509; 219038, 219136; 229182, 229310; 232070, 232158; 233104, 233239; 234322, 23989
5

37662 200878, 384662 200776, 201044; 201163, 201256; 201565, 201719;
203061, 203523; 203609, 203737; 203893, 203970; 204055, 204216; 204303, 204407; 207014, 207
109; 207952, 208077; 208713, 208865; 209050, 209204; 209408, 209534; 210629, 210812; 211626
, 211783; 212277, 212455; 213283, 213421; 214223, 214416; 215

37662 200878, 384662 200776, 201044; 201163, 201256; 201565, 201719;
203061, 203523; 203609, 203737; 203893, 203970; 204055, 204216; 204303, 204407; 207014, 207
109; 207952, 208077; 208713, 208865; 209050, 209204; 209408, 209534; 210629, 210812; 211626
, 211783; 212277, 212455; 213283, 213421; 214223, 214416; 215

37662 373712, 384662 373710, 373783; 377471, 377588; 379902, 380101;
383412, 383535; 384399, 385605

37663 521, 384662 1, 611; 108377, 108438; 139297, 139386; 141701, 1417
78; 143921, 144013; 172859, 173025; 192422, 192534; 192634, 192740; 194977, 195096; 197484,
197579; 197673, 197800; 201163, 201256; 201565, 201719; 203061, 203523; 203609, 203737; 203
893, 203970; 204055, 204216; 204303, 204407; 207014, 2071

37663 521, 384662 1, 611; 108377, 108438; 139297, 139386; 141701, 1417
78; 143921, 144013; 172859, 173025; 192422, 192534; 192634, 192740; 194977, 195096; 197484,
197579; 197673, 197800; 201163, 201256; 201565, 201719; 203061, 203523; 203609, 203737; 203
893, 203970; 204055, 204216; 204303, 204407; 207014, 2071

37663 200878, 228150 200776, 201044; 201163, 201256; 201565, 201719;
203061, 203523; 203609, 203737; 203893, 203970; 204055, 204216; 204303, 204407; 207014, 207
109; 207952, 208077; 208713, 208865; 209050, 209204; 209408, 209534; 210629, 210812; 211626
, 211783; 212277, 212455; 213283, 213421; 214223, 214416; 215505, 215667; 216379, 216462; 21
8402, 218509; 219038, 219136; 222951, 225680; 226248, 229069

37663 200878, 239839 200776, 201044; 201163, 201256; 201565, 201719;
203061, 203523; 203609, 203737; 203893, 203970; 204055, 204216; 204303, 204407; 207014, 207
109; 207952, 208077; 208713, 208865; 209050, 209204; 209408, 209534; 210629, 210812; 211626
, 211783; 212277, 212455; 213283, 213421; 214223, 214416; 215505, 215667; 216379, 216462; 21
8402, 218509; 219038, 219136; 229182, 229310; 232070, 232158; 233104, 233239; 234322, 23989
5

37663 200878, 384662 200776, 201044; 201163, 201256; 201565, 201719;
203061, 203523; 203609, 203737; 203893, 203970; 204055, 204216; 204303, 204407; 207014, 207
109; 207952, 208077; 208713, 208865; 209050, 209204; 209408, 209534; 210629, 210812; 211626
, 211783; 212277, 212455; 213283, 213421; 214223, 214416; 215

37663 200878, 384662 200776, 201044; 201163, 201256; 201565, 201719;
203061, 203523; 203609, 203737; 203893, 203970; 204055, 204216; 204303, 204407; 207014, 207
109; 207952, 208077; 208713, 208865; 209050, 209204; 209408, 209534; 210629, 210812; 211626
, 211783; 212277, 212455; 213283, 213421; 214223, 214416; 215

37663 373712, 384662 373710, 373783; 377471, 377588; 379902, 380101;
383412, 383535; 384399, 385605

37664 36467, 107360 1, 347; 718, 785; 36426, 36536; 38032, 38148; 40632
, 40721; 43438, 43473; 46640, 46701; 47601, 47709; 59831, 59986; 61022, 61090; 62114, 62189; 6
5285, 65351; 69981, 70105; 70958, 71055; 73155, 73250; 73340, 73429; 75302, 75406; 81342, 814
98; 85259, 85429; 86592, 86689; 98961, 99011; 99942, 100108; 102053, 102121; 102690, 102806;
103616, 103763; 104304, 104399; 105528, 105669; 107230, 108265

37664 36467, 122257 188, 347; 36426, 36536; 38032, 38148; 40632, 40721
; 43438, 43473; 46640, 46701; 47601, 47709; 59831, 59986; 61022, 61090; 62114, 62189; 65285, 6
5351; 69981, 70105; 70958, 71055; 73155, 73250; 73340, 73429; 75302, 75406; 81342, 81498; 852
59, 85429; 86592, 86689; 98961, 99011; 99942, 100108; 102053, 102121; 102690, 102806; 103616
, 103763; 104304, 104399; 105528, 105669; 107230, 107324; 122162, 122719

37664 36425, 107360 188, 347; 36426, 36536; 38032, 38148; 40632, 40721
; 43438, 43473; 46640, 46701; 47601, 47709; 59831, 59986; 61022, 61090; 62114, 62189; 65285, 6
5351; 69981, 70105; 70958, 71055; 73155, 73250; 73340, 73429; 75302, 75406; 81342, 81498; 852
59, 85429; 86592, 86689; 98961, 99011; 99942, 100108; 102053, 102121; 102690, 102806; 103616
, 103763; 104304, 104399; 105528, 105669; 107230, 109158

37664 779, 122257 600, 785; 36426, 36536; 38032, 38148; 40632, 40721; 4
3438, 43473; 46640, 46701; 47601, 47709; 59831, 59986; 61022, 61090; 62114, 62189; 65285, 653
51; 69981, 70105; 70958, 71055; 73155, 73250; 73340, 73429; 75302, 75406; 81342, 81498; 85259
, 85429; 86592, 86689; 98961, 99011; 99942, 100108; 102053, 102121; 102690, 102806; 103616, 1
03763; 104304, 104399; 105528, 105669; 107230, 107324; 122162, 122719

37664 779, 122257 600, 785; 36426, 36536; 38032, 38148; 40632, 40721; 4
3438, 43473; 46640, 46701; 47601, 47709; 59831, 59986; 61022, 61090; 62114, 62189; 65285, 653
51; 69981, 70105; 70958, 71055; 73155, 73250; 73340, 73429; 75302, 75406; 81342, 81498; 85259
, 85429; 86592, 86689; 98961, 99011; 99942, 100108; 102053, 102121; 102690, 102806; 103616, 1
03763; 104304, 104399; 105528, 105669; 107230, 107354; 122162, 122719

37664 36425, 107360 600, 785; 36426, 36536; 38032, 38148; 40632, 40721
; 43438, 43473; 46640, 46701; 47601, 47709; 59831, 59986; 61022, 61090; 62114, 62189; 65285, 6
5351; 69981, 70105; 70958, 71055; 73155, 73250; 73340, 73429; 75302, 75406; 81342, 81498; 852
59, 85429; 86592, 86689; 98961, 99011; 99942, 100108; 102053, 102121; 102690, 102806; 103616
, 103763; 104304, 104399; 105528, 105669; 107230, 109158

37664 779, 107360 600, 785; 36426, 36536; 38032, 38148; 40632, 40721; 4
3438, 43473; 46640, 46701; 47601, 47709; 59831, 59986; 61022, 61090; 62114, 62189; 65285, 653
51; 69981, 70105; 70958, 71055; 73155, 73250; 73340, 73429; 75302, 75406; 81342, 81498; 85259
, 85429; 86592, 86689; 98961, 99011; 99942, 100108; 102053, 102121; 102690, 102806; 103616, 1
03763; 104304, 104399; 105528, 105669; 107230, 109158

37664 36425, 122199 600, 785; 36426, 36536; 38032, 38148; 40632, 40721
; 43438, 43473; 46640, 46701; 47601, 47709; 59831, 59986; 61022, 61090; 62114, 62189; 65285, 6
5351; 69981, 70105; 70958, 71055; 73155, 73250; 73340, 73429; 75302, 75406; 81342, 81498; 852
59, 85429; 86592, 86689; 98961, 99011; 99942, 100108; 102053, 102121; 102690, 102806; 103616
, 103763; 104304, 104399; 105528, 105669; 122162, 122719

37664 779, 122199 600, 785; 36426, 36536; 38032, 38148; 40632, 40721; 4
3438, 43473; 46640, 46701; 47601, 47709; 59831, 59986; 61022, 61090; 62114, 62189; 65285, 653
51; 69981, 70105; 70958, 71055; 73155, 73250; 73340, 73429; 75302, 75406; 81342, 81498; 85259
, 85429; 86592, 86689; 98961, 99011; 99942, 100108; 102053, 102121; 102690, 102806; 103616, 1
03763; 104304, 104399; 105528, 105669; 122162, 122719

37665 3716, 84243 1, 420; 3694, 4214; 21042, 22067; 24466, 24584; 47812
, 47907; 49021, 49173; 49441, 49577; 50682, 50793; 54279, 54506; 60498, 60609; 61289, 61386; 6
2720, 62796; 67954, 68129; 68450, 68565; 69654, 69818; 75336, 75543; 78422, 78510; 83770, 838
65; 84177, 86528

37665 19, 84243 19, 69; 151, 171; 233, 420; 3694, 4214; 21042, 22067; 244
66, 24584; 47812, 47907; 49021, 49173; 49441, 49577; 50682, 50793; 54279, 54506; 60498, 60609
; 61289, 61386; 62720, 62796; 67954, 68129; 68450, 68565; 69654, 69818; 75336, 75543; 78422, 7
8510; 83770, 83865; 84177, 86528

37665 54336, 84243 46, 125; 385, 420; 3694, 4214; 21042, 22067; 24484, 2
4584; 47812, 47907; 49021, 49173; 49441, 49577; 50682, 50793; 54279, 54506; 60498, 60609; 612

89,61386;62720,62796;67954,68129;68450,68565;75336,75543;78422,78510;83770,83865
;84177,84410
37666 241,98479 1,359;59836,60018;61643,61832;68554,68670;7887
4,78988;79294,79425;94700,94809;98362,98487;103442,104387;104458,104483;104561,1
05092
37666 241,98479 1,359;59836,60018;61643,61832;68554,68670;7887
4,78988;79294,79425;94700,94809;98362,98639
37666 241,98479 241,359;59836,60018;61643,61832;68554,68670;78
874,78988;79294,79425;94700,94809;98362,98487;103442,105098
37667 18928,78178 1,58;18920,19120;21150,21245;24759,25066;270
07,27132;32906,33032;35588,35894;37216,37309;38273,38463;40461,40554;41774,41843
;45301,45393;48795,48874;56294,56420;57810,57958;58457,58543;68475,68627;72871,7
2985;73798,73901;78019,80792
37668 18928,78178 1,58;18920,19120;21150,21245;24759,25066;270
07,27132;32906,33032;35588,35894;37216,37309;38273,38463;40461,40554;41774,41843
;45301,45393;48795,48874;56294,56420;57810,57958;58457,58543;68475,68627;72871,7
2985;73798,73901;78019,80792
37669 18928,78178 1,58;18920,19120;21150,21245;24759,25066;270
07,27132;32906,33032;35588,35894;37216,37309;38273,38463;40461,40554;41774,41843
;45301,45393;48795,48874;56294,56420;57810,57958;58457,58543;68475,68627;72871,7
2985;73798,73901;78019,80792
37670 248,35062 1,522;13808,13909;14062,14133;16310,16408;1734
4,17445;18069,18141;21906,21985;29443,29636;30941,31019;31338,31483;33524,33580;
34110,34203;34989,36652
37670 16347,36535 16348,16408;17344,17445;18069,18141;21906,21
985;29443,29636;30941,31019;31338,31487;36421,36455;36458,36535
37670 512,35062 410,522;13808,13909;14062,14133;16310,16408;17
344,17445;18069,18141;21906,21985;29443,29636;30941,31019;31338,31483;33524,3358
0;34110,34203;34989,36652
37670 512,35003 410,522;13808,13909;14062,14133;16310,16408;17
344,17445;18069,18141;21906,21985;29443,29636;30941,31019;31338,31483;33524,3358
0;34110,34223;34989,36652
37670 470,31588 471,522;13808,13909;14062,14133;16310,16408;17
344,17445;18069,18141;21906,21985;29443,29636;30941,31019;31338,33580;34110,3665
2
37671 103,34654 1,113;13400,13501;13654,13725;15902,16000;1693
6,17037;17661,17733;21498,21577;29035,29228;30533,30611;30930,31075;33116,33172;
33702,33795;34581,36244
37671 103,34595 1,113;13400,13501;13654,13725;15902,16000;1693
6,17037;17661,17733;21498,21577;29035,29228;30533,30611;30930,31075;33116,33172;
33702,33815;34581,36244
37672 0,7594 1,51;56,166;6304,6452;7339,7594
37672 7384,7594 256,498;5491,5525;6304,6448;7335,9025
37673 107,34715 108,251;2079,2340;15155,15202;20543,20758;2095
4,21178;21259,21483;21690,21896;22973,23191;23272,23466;23557,23757;23843,23991;
24068,24173;24895,25011;25093,25257;25467,25610;25698,25822;25894,25999;26131,26
469;26554,26691;27061,27188;27307,27421;27510,27629;27746,28099;28601,28793;2897
0,29185;29300,29529;29637,29771;29967,30063;30161,30325;30460,30571;30987,31103;
31187,31379;31462,31549;33487,33711;34182,34285;34558,35666
37673 50,34715 1,251;2079,2340;15155,15202;20543,20758;20954,2

1178;21259,21483;21690,21896;22973,23191;23272,23466;23557,23757;23843,23991;24068,24173;24895,25011;25093,25257;25467,25610;25698,25822;25894,25999;26131,26469;26554,26691;27061,27188;27307,27421;27510,27629;27746,28099;28601,28793;28970,29185;29300,29529;29637,29771;29967,30063;30161,30325;30460,30571;30987,31103;31187,31379;31462,31549;33487,33711;34182,34285;34558,35846
37674 48205,147331 1,211;48205,48320;63789,63845;64551,64698;84610,84672;85699,85803;113468,113596;115822,115968;118006,118203;119137,119323;119502,119512;134164,134273;140162,140294;142616,142737;143062,143198;147167,147333
37674 188,152625 15,211;48205,48320;63789,63845;64551,64698;84610,84672;85699,85803;113468,113596;115822,115968;118006,118203;119137,119319;127183,127197;134164,134273;140162,140294;142616,142737;143062,143198;147167,147325;152617,155976
37674 48154,64771 48154,48190;48224,48320;63789,63845;64551,64770
37675 107,42465 1,325;2805,2982;5854,5909;6448,6518;8093,8198;9702,9833;12715,12825;13625,13689;16657,16707;17151,17343;19541,19685;20326,20526;21032,21078;23031,23186;25263,25371;25875,26036;29758,29928;31597,31656;35550,35758;38387,38548;39798,40010;42342,44909
37675 107,42465 95,325;2805,2982;5854,5909;6448,6518;8093,8198;9702,9833;12715,12825;13625,13689;16657,16707;17151,17343;19541,19685;20326,20526;21032,21078;23031,23186;25263,25371;25875,26036;29758,29928;31597,31656;35550,35758;38387,38548;39798,40010;42342,42756
37676 0,63548 1,174;21182,21292;35762,35909;40533,40737;47632,47746;49002,49113;53118,53253;54033,54210;57481,57563;58386,58473;58573,58680;59307,59384;60026,60147;60319,60376;61409,61486;61964,62065;63075,63186;63442,65841
37676 35827,63548 15,174;21182,21292;35762,35909;40533,40737;47632,47746;49002,49113;53118,53253;54033,54210;57481,57563;58386,58473;58573,58680;59307,59384;60026,60147;60319,60376;61409,61486;61964,62059;63075,63186;63442,65841
37677 636,56906 1,236;506,1010;56768,58394
37677 636,56906 1,236;506,1199;56768,58394
37677 636,56906 636,1010;56768,58394
37678 15106,114399 1,148;14959,15529;27500,27626;29254,29375;29713,29828;32667,32725;40695,40827;42883,43015;44545,44685;58071,58282;60361,60540;72249,72368;74459,74599;78533,78595;80405,80581;83620,83747;86463,86546;94993,95083;95214,95298;97388,97497;103755,103882;105033,105135;105217,105289;114259,115395
37678 15256,114399 1,148;14959,15529;27500,27626;29254,29375;29713,29828;32667,32725;40695,40827;42883,43015;44545,44685;58071,58282;60361,60540;72249,72368;74459,74599;78533,78595;80405,80581;83620,83747;86463,86546;94993,95083;95214,95298;97388,97497;103755,103882;105033,105135;105217,105289;114259,115395
37679 84,102630 1,250;20449,20585;22822,22953;29003,29099;31857,32007;33903,34035;40589,40747;41330,41398;42748,42854;43879,44019;44669,44806;46437,46592;48278,48476;54219,54364;59819,60040;61915,62088;66203,66395;66650,66756;68126,68230;68330,68431;77007,77135;78187,78314;78427,78562;80012,80074;80277,80456;82393,82473;83392,83523;84698,84856;87926,88017;89676,89850;91364,91539;92873,93093;94379,94515;96878,97001;97971,98117;98475,98725;100331,100547;100985

, 101080; 101155, 101238; 102529, 104073

37679 84, 102630 1, 250; 20449, 20585; 22822, 22953; 29003, 29099; 3185
7, 32007; 33903, 34035; 40589, 40768; 41345, 41398; 42748, 42854; 43879, 44019; 44669, 44806;
46437, 46592; 48278, 48476; 54219, 54364; 59819, 60040; 61915, 62088; 66203, 66395; 66650, 66
756; 68126, 68230; 68330, 68431; 77007, 77135; 78187, 78314; 78427, 78562; 80012, 80074; 8027
7, 80456; 82393, 82473; 83392, 83523; 84698, 84856; 87926, 88017; 89676, 89850; 91364, 91539;
92873, 93093; 94379, 94515; 96878, 97001; 97971, 98117; 98475, 98725; 100331, 100547; 100985
, 101080; 101155, 101238; 102529, 104073

37680 333074, 343641 1, 25; 152053, 152093; 329006, 329055; 333033, 33
3159; 333253, 333355; 333547, 333775; 335318, 335465; 335725, 335824; 336347, 336533; 33664
1, 336887; 337413, 337508; 337617, 337768; 338851, 339016; 339749, 339859; 340966, 341210; 3
41359, 341486; 341724, 341942; 342418, 342652; 343233, 343319; 343322, 343382; 343438, 3434
39; 343501, 344497

37680 164851, 168742 164702, 164908; 166882, 166990; 167263, 167373;
167685, 169761

37680 164851, 168742 164725, 164908; 166882, 166990; 167263, 167373;
167685, 169761

37681 4211, 278966 1, 65; 4136, 4308; 12458, 12535; 14191, 14381; 14482
, 14562; 19168, 19284; 23667, 23771; 26278, 26448; 26932, 27032; 27880, 28048; 30638, 30739; 3
0893, 31094; 31846, 32025; 36826, 36956; 37790, 37865; 38651, 38821; 40939, 41069; 42948, 430
80; 45770, 47983; 49444, 49595; 52650, 53681; 58168, 58258; 60943, 61069; 63469, 63649; 69147
, 69329; 74451, 74673; 78376, 78586; 81399, 81570; 81758, 81870; 84060, 84272; 88017, 88282; 8
9442, 89575; 91754, 91909; 92481, 92691; 93651, 93725; 97593, 97799; 99774, 99863; 103171, 10
3311; 105650, 105772; 108176, 108250; 111725, 111830; 112844, 112996; 115319, 115454; 11655
0, 116597; 118768, 118918; 119109, 119319; 123919, 124166; 125844, 126035; 126343, 126469; 1
28403, 128545; 132664, 132794; 133016, 133191; 138411, 138534; 139410, 139645; 143693, 1438
01; 148370, 148533; 149430, 149538; 152923, 153102; 155207, 155320; 156132, 156281; 170126,
170275; 171549, 171645; 173766, 173914; 185028, 185162; 186601, 186768; 225942, 226074; 230
144, 230339; 267442, 267573; 276795, 277035; 278835, 281984

37681 4211, 278966 1, 65; 4136, 4308; 12458, 12535; 14191, 14381; 14482
, 14562; 19168, 19284; 23667, 23771; 26278, 26448; 26932, 27032; 27880, 28048; 30638, 30739; 3
0893, 31094; 31846, 32025; 36826, 36956; 37790, 37865; 38651, 38821; 40939, 41069; 42948, 430
80; 45770, 47983; 49444, 49595; 52650, 53681; 58168, 58258; 60943, 61069; 63469, 63649; 69147
, 69329; 74451, 74673; 78376, 78586; 81399, 81570; 81758, 81870; 84060, 84272; 88017, 88282; 8
9442, 89575; 91754, 91909; 92481, 92691; 93651, 93725; 97593, 97799; 99774, 99863; 103171, 10
3311; 105650, 105772; 111725, 111830; 112844, 112996; 115319, 115454; 116550, 116597; 11876
8, 118918; 119109, 119319; 123919, 124166; 125844, 126035; 126343, 126469; 128403, 128545; 1
32664, 132794; 133016, 133191; 138411, 138534; 139410, 139645; 143693, 143801; 148370, 1485
33; 149430, 149538; 152923, 153102; 155207, 155320; 156132, 156281; 170126, 170275; 171549,
171645; 173766, 173914; 185028, 185162; 186601, 186768; 225942, 226074; 230144, 230339; 267
442, 267573; 276795, 277035; 278835, 281984

37681 47067, 278966 4132, 4308; 12458, 12535; 14191, 14381; 14482, 145
62; 19168, 19284; 23667, 23771; 26278, 26448; 26932, 27032; 27880, 28048; 30638, 30739; 30893
, 31094; 31846, 32025; 36826, 36956; 37790, 37865; 38651, 38821; 40939, 41069; 42948, 43080; 4
5770, 47983; 49444, 49595; 52650, 53681; 58168, 58258; 60943, 61069; 63469, 63649; 69147, 693
29; 74451, 74673; 78376, 78586; 81399, 81570; 81758, 81870; 84060, 84272; 88017, 88282; 89442
, 89575; 91754, 91909; 92481, 92691; 93651, 93725; 97593, 97799; 99774, 99863; 103171, 103311
; 105650, 105772; 108176, 108250; 111728, 111830; 112844, 112996; 115319, 115454; 116550, 11
6597; 118768, 118918; 119109, 119319; 123919, 124166; 125844, 126035; 126343, 126469; 12840
3, 128545; 132664, 132794; 133016, 133191; 138411, 138534; 139410, 139645; 143693, 143801; 1

48370, 148533; 149430, 149538; 152923, 153102; 155207, 155320; 156132, 156281; 170126, 170275; 171549, 171645; 173766, 173914; 185028, 185162; 186601, 186768; 225942, 226074; 230144, 230339; 267442, 267573; 276795, 277035; 278835, 280303

37681 4211, 278966 4132, 4308; 12458, 12535; 14191, 14402; 14408, 14413; 14494, 14562; 19168, 19284; 23667, 23771; 26278, 26448; 26932, 27032; 27880, 28048; 30638, 30739; 30893, 31094; 31846, 32025; 36826, 36956; 37790, 37865; 38651, 38821; 40939, 41069; 42948, 43080; 45770, 47983; 49444, 49595; 52650, 53681; 58168, 58258; 60943, 61069; 63469, 63649; 69147, 69329; 74451, 74673; 78376, 78586; 81399, 81570; 81758, 81870; 84060, 84272; 88017, 88282; 89442, 89575; 91754, 91909; 92481, 92691; 93651, 93725; 97593, 97799; 99774, 99863; 103171, 103311; 105650, 105772; 108176, 108250; 111725, 111830; 112844, 112996; 115319, 115454; 116550, 116597; 118768, 118918; 119109, 119319; 123919, 124166; 125844, 126035; 126343, 126469; 128403, 128545; 132664, 132794; 133016, 133191; 138411, 138534; 139410, 139645; 143693, 143801; 148370, 148533; 149430, 149538; 152923, 153102; 155207, 155320; 156132, 156281; 170126, 170275; 171549, 171645; 173766, 173914; 185028, 185162; 186601, 186768; 225942, 226074; 230144, 230339; 267442, 267573; 276795, 277035; 278835, 280303

37681 4211, 81558 4132, 4308; 12458, 12535; 14191, 14402; 14408, 14413; 14494, 14562; 19168, 19284; 23667, 23771; 26278, 26448; 26932, 27032; 27880, 28048; 30638, 30739; 30893, 31094; 31846, 32025; 36826, 36956; 37790, 37865; 38651, 38821; 40939, 41069; 42948, 43080; 45770, 47983; 49444, 49595; 52650, 53681; 58168, 58258; 60943, 61069; 63469, 63649; 69147, 69329; 74451, 74673; 78376, 78586; 81399, 81570; 81758, 81870; 84060, 84272; 88017, 88282; 89442, 89575; 91754, 91909; 92481, 92691; 93651, 93725; 97593, 97799; 99774, 99863; 103171, 103311; 105650, 105772; 111725, 111830; 112844, 112996; 115319, 115454; 116550, 116597; 118768, 118918; 119109, 119319; 123919, 124166; 125844, 126035; 126343, 126469; 128403, 128545; 132664, 132794; 133016, 133191; 138411, 138534; 139410, 139645; 143693, 143801; 148370, 148533; 149430, 149538; 152923, 153102; 155207, 155320; 156132, 156281; 170126, 170275; 171549, 171645; 173766, 173914; 185028, 185162; 186601, 186768; 225942, 226074; 230144, 230339; 267442, 267573; 276795, 277035; 278835, 280303

37682 0, 336399 1, 150; 133750, 133820; 163623, 163692; 238134, 238240; 243089, 243119; 245108, 245218; 252680, 252875; 258402, 258654; 278146, 278181; 283714, 283840; 285337, 285494; 285699, 286107; 289607, 289822; 300634, 300724; 302035, 302198; 305775, 305880; 310768, 310808; 315593, 315676; 319220, 319312; 320169, 320273; 321547, 321674; 323611, 323732; 324924, 325044; 327054, 327131; 328741, 328849; 331496, 331598; 336374, 338186

37682 54, 336399 1, 150; 133750, 133820; 163623, 163692; 238134, 238240; 243089, 243119; 245108, 245218; 252680, 252875; 258402, 258654; 278146, 278181; 283714, 283840; 285337, 285494; 285699, 286107; 289607, 289822; 300634, 300724; 302035, 302198; 305775, 305880; 310768, 310808; 315593, 315676; 319220, 319312; 320169, 320273; 321547, 321674; 323611, 323732; 324924, 325044; 327054, 327131; 328741, 328849; 331496, 331598; 336374, 338207

37682 177552, 336399 177518, 177564; 238134, 238240; 243089, 243119; 245108, 245218; 252680, 252875; 258402, 258654; 259638, 259904; 265922, 266224; 268706, 268948; 270362, 270691; 271963, 272081; 272191, 272299; 272762, 273022; 278146, 278181; 283714, 283840; 285337, 285494; 285699, 286107; 289607, 289822; 300634, 300724; 302035, 302198; 305775, 305880; 310768, 310808; 315596, 315676; 319220, 319312; 320169, 320273; 321547, 321674; 323611, 323732; 324924, 325044; 327054, 327131; 328741, 328849; 331496, 331598; 336374, 337027

37683 0, 768043 1, 451; 623914, 624411; 629474, 629815; 767706, 768043

37683 20360, 74790 19264, 19411; 20296, 20372; 45519, 45585; 57703, 57809; 66146, 66267; 67643, 67808; 68413, 68556; 69057, 69125; 70500, 70651; 71057, 71223; 72341, 72419; 74643, 75707

37683 20360,74790 19264,19411;20297,20372;45519,45585;57703,57
809;66146,66267;67643,67808;68413,68556;69057,69125;70500,70651;71057,71223;7234
1,72419;74643,75707

37683 20360,74790 19264,19411;20297,20372;45519,45585;57703,57
809;66146,66267;67643,67808;68413,68556;69057,69125;70500,70651;71057,71223;7234
1,72419;74643,75710

37684 75,14521 1,127;3659,3807;7082,7216;10777,10961;11976,120
56;12618,12734;13599,13766;13852,15634

37685 157,42693 1,348;6676,6735;11515,11721;13709,13774;14526,
14624;16125,16292;18745,18827;19934,20052;22326,22429;30376,30477;36320,36427;37
728,37838;39251,39411;42614,45989

37686 157,42693 1,348;6676,6735;11515,11721;13709,13774;14526,
14624;16125,16292;18745,18827;19934,20052;22326,22429;30376,30477;36320,36427;37
728,37838;39251,39411;42614,45989

37687 192142,192685 126273,126346;133966,134116;135017,135192;
136555,136683;136963,137019;138166,138295;154398,154614;157305,157560;160573,160
669;161135,161229;161534,161599;162867,163042;171865,172007;172098,172221;174171
,174204;175587,175761;191868,192767

37687 97338,191898 1,313;29128,29292;35237,35331;96902,96974;9
7279,97510;109333,109572;119720,119871;122335,122504;133966,134116;135017,135192
;136555,136683;136963,137019;138166,138295;154398,154614;157305,157560;160573,16
0669;161135,161229;161534,161599;162867,163042;171865,172007;172098,172221;17417
1,174204;191868,194275

37688 11900,12098 1,180;273,372;1525,1737;4086,4101;11658,1263
3

37688 9336,11554 6863,9689;10851,11013;11396,12633

37688 117,11554 85,180;273,372;4086,4115;9575,9689;10851,11013
;11396,14664

37689 192142,192685 126273,126346;133966,134116;135017,135192;
136555,136683;136963,137019;138166,138295;154398,154614;157305,157560;160573,160
669;161135,161229;161534,161599;162867,163042;171865,172007;172098,172221;174171
,174204;175587,175761;191868,192767

37689 97338,191898 1,313;29128,29292;35237,35331;96902,96974;9
7279,97510;109333,109572;119720,119871;122335,122504;133966,134116;135017,135192
;136555,136683;136963,137019;138166,138295;154398,154614;157305,157560;160573,16
0669;161135,161229;161534,161599;162867,163042;171865,172007;172098,172221;17417
1,174204;191868,194275

37690 537,16737 1,170;479,702;5623,5762;5849,5942;6147,6308;66
29,6747;8262,8498;13588,13723;13868,13996;14903,15046;15116,15239;15444,15508;15
915,15987;16682,18234

37690 537,16737 21,170;479,702;5623,5762;5849,5942;6147,6308;6
629,6747;8262,8498;13588,13723;13868,13996;14903,15046;15116,15239;15444,15508;1
5915,15987;16682,18233

37690 537,16737 537,702;5623,5762;5849,5942;6147,6308;6629,674
7;8262,8498;13588,13723;13868,13996;14903,15046;15116,15239;15444,15508;15915,15
987;16682,17162

37691 163,68679 1,281;978,995;1087,1169;10394,10498;14973,1511
1;41366,41446;44764,44849;45927,46391;50971,51059;51555,51657;52386,52517;57655,
57777;57877,58095;59033,59368;60602,60822;61606,61808;63260,63345;63623,63756;64
375,64492;64575,64695;68666,69464

37691 163,64844 1,281;978,995;1087,1169;10394,10498;14973,1511
 1;41366,41446;44764,44849;45927,46391;50971,51059;51555,51657;52386,52517;57655,
 57777;57877,58095;59033,59368;60602,60822;61606,61808;63260,63345;63623,63756;64
 375,64492;64575,65692
 37692 281,52718 1,284;33526,33598;36178,36271;38808,38949;5248
 5,52577;52582,52650;52656,55956
 37692 242,52718 1,284;33526,33598;36178,36271;38808,38949;5248
 5,55956
 37692 242,52718 1,284;33526,33598;36178,36271;38808,38949;5248
 5,55959
 37693 10657,127711 10622,11992;29732,29831;31527,31634;32131,3
 2516;36552,36845;37743,37928;40002,40142;40674,40752;41445,41494;42211,42268;449
 05,44994;55115,55222;56150,56340;56738,56915;61536,61672;63047,63216;63528,63702
 ;63815,63951;67573,67759;68248,68414;70087,70256;71117,71359;73815,73979;75684,7
 5842;77475,77569;78055,78326;79739,79941;80027,80196;81991,82187;87720,87831;879
 91,88134;93342,93500;93683,93766;94215,94349;94709,94753;94838,94991;95357,95598
 ;95765,95938;100361,100497;100637,100693;103184,103262;103381,103635;105012,1050
 57;105137,105246;112148,112361;112504,112739;114706,114924;116812,117007;117400,
 117524;119533,119679;126554,126631;127439,128317
 37693 10657,127711 1,74;10623,11992;29735,29831;31527,31634;32
 131,32516;36552,36845;37743,37928;40002,40142;40674,40752;41445,41494;42211,4226
 8;44905,44994;55115,55222;56150,56340;56738,56915;61536,61672;63047,63216;63528,
 63702;63815,63951;67573,67759;68248,68414;70087,70256;71117,71359;73815,73979;75
 684,75842;77475,77569;78055,78326;79739,79941;80027,80196;81991,82187;87720,8783
 1;87991,88134;93342,93500;93683,93766;94215,94349;94709,94753;94838,94991;95357,
 95598;95765,95938;100361,100497;100637,100693;103184,103262;103381,103635;105012
 ,105057;105137,105246;112148,112361;112504,112739;114706,114924;116812,117007;11
 7400,117524;119533,119679;126554,126631;127439,130498
 37693 100438,119603 82138,82187;87720,87831;87991,88134;93342,
 93500;93683,93766;94215,94349;94709,94753;94838,94991;95357,95598;95765,95938;10
 0361,100497;100637,100693;103184,103262;103381,103635;105012,105057;105137,10524
 6;112148,112361;112504,112739;114706,114924;116812,117007;117400,117413;117416,1
 17524;119533,119679;126554,126631;127439,130504
 37694 3578,38769 1,302;3537,3722;7573,7668;8140,8314;10437,105
 48;11336,11404;12009,12134;13956,14043;14289,14374;14558,14726;17892,18123;20610
 ,20704;21877,21986;22330,22528;25284,25535;25751,25903;31434,31640;32972,33109;3
 6788,36918;37190,37331;38365,38480;38577,38956
 37694 3578,18128 777,828;3537,3722;7573,7668;8140,8314;10437,1
 0548;11336,11404;12009,12134;13956,14043;14289,14374;14558,14726;17892,18880
 37694 3578,38769 783,828;3537,3722;7573,7668;8140,8314;10437,1
 0548;11336,11404;12009,12134;13956,14043;14289,14374;14558,14726;17892,18123;206
 10,20704;21877,21986;22330,22528;25284,25535;25751,25903;31434,31640;32972,33109
 ;36788,36918;37190,37331;38365,38480;38577,38925
 37694 3578,18128 783,828;3537,3722;7573,7668;8140,8314;10437,1
 0548;11336,11404;12009,12134;13956,14043;14289,14374;14558,14726;17892,18882
 37695 42,4983 1,104;875,978;1365,1552;3261,3469;4567,4676;4862
 ,5040
 37695 42,4983 22,104;875,978;1365,1552;3261,3469;4567,4676;486
 2,5026
 37696 44,32251 1,138;6523,6647;7538,7603;7846,7939;9080,9208;1

0411,10537;11107,11256;11568,11735;12251,12322;12696,12758;13414,13536;14315,144
 11;16301,16423;18418,18617;18780,18929;20131,20292;20590,20709;24103,24240;27984
 ,28157;28719,28929;30705,30789;31855,31984;32071,33462
 37697 2313,7524 1,292;2301,2347;2490,2644;4962,5066;5153,5348;
 5817,5938;6031,6100;7478,9834
 37697 2557,6105 2556,2644;4962,5066;5153,5348;5817,5938;6031,9
 834
 37698 461,36198 1,936;2651,2728;7269,7328;18085,18126;19261,19
 347;21925,21981;25782,25816;35893,36198
 37698 461,36198 244,936;2651,2728;7272,7328;18085,18126;19261,
 19347;21925,21981;25782,25823;26564,26632;31957,32013;35411,38035
 37699 461,36198 1,936;2651,2728;7269,7328;18085,18126;19261,19
 347;21925,21981;25782,25816;35893,36198
 37699 461,36198 244,936;2651,2728;7272,7328;18085,18126;19261,
 19347;21925,21981;25782,25823;26564,26632;31957,32013;35411,38035
 37700 523,4059 1,526;677,785;2220,2303;2967,3076;3158,3290;337
 0,3524;3609,3703;3792,3865;3947,4215
 37700 523,4059 507,526;677,785;2220,2303;2967,3076;3158,3290;3
 370,3524;3609,3703;3792,3865;3947,4215
 37701 3371,212150 1,78;3330,3467;71807,71958;121434,121476;123
 699,124117;133648,133820;134491,134527;166087,166274;188359,188533;202543,202723
 ;205510,205630;210505,210620;212061,212704;212840,213564
 37701 3371,212150 41,78;3330,3467;71807,71958;121434,121476;12
 3699,124117;133648,133820;134491,134527;166087,166274;188359,188533;202543,20272
 3;205510,205630;210505,210620;212061,213564
 37702 188,59284 1,433;12870,13070;51188,51352;59170,63299
 37702 188,59284 4,433;12870,13070;51188,51352;59170,63299
 37703 188,59284 1,433;12870,13070;51188,51352;59170,63299
 37703 188,59284 4,433;12870,13070;51188,51352;59170,63299
 37704 17494,17848 1,232;234,411;1246,1370;16135,17917
 37704 175,16439 1,232;235,411;1247,1370;1872,1926;16136,17917
 37704 175,16140 1,411;1247,1370;16136,17921
 37704 243,16439 1,411;1247,1370;1872,1926;16136,17917
 37704 175,16439 1,411;1247,1370;1872,1926;16136,17921
 37704 243,8545 239,411;1247,1370;1872,1926;8521,8545
 37705 42,7213 1,103;3851,4013;5608,5689;6866,8021
 37706 42,7213 1,103;3851,4013;5608,5689;6866,8021
 37707 85,113513 1,610;46772,46890;47604,47748;47924,48056;7742
 7,77543;80248,80362;83266,83412;83866,83983;85437,85711;86405,86569;89524,89724;
 100844,100976;102420,102483;104060,104219;105401,105750;108277,108400;109697,109
 771;111551,111703;113170,113220;113300,113539
 37707 85,113513 1,610;46772,46890;47604,47748;47924,48056;7742
 7,77543;80248,80362;83266,83412;83866,83983;85437,85711;86405,86569;89524,89724;
 100844,100976;102420,102483;104060,104219;105401,105750;108277,108400;109697,109
 771;111551,111703;113300,113539
 37707 85,113513 26,610;46772,46890;47604,47748;47924,48056;774
 27,77543;80248,80362;83266,83412;83866,83983;85437,85711;86405,86569;89524,89724
 ;100844,100976;102420,102483;104060,104219;105401,105750;108277,108400;109697,10
 9771;111551,111703;113170,113220;113300,113539
 37707 85,113513 26,610;46772,46890;47604,47748;47924,48056;774

27,77543;80248,80362;83266,83412;83866,83983;85437,85711;86405,86569;89524,89724
;100844,100976;102420,102483;104060,104219;105401,105750;108277,108400;109697,10
9771;111551,111703;113300,113539

37708 27,10351 1,61;1137,1257;2479,2591;3420,3499;9224,9288;10
297,11259

37708 3,10351 1,61;1137,1257;2479,2591;3420,3499;9224,9288;102
97,11259

37709 1,351883 1,340;121420,121493;201041,201122;204513,204551
;207615,207668;271596,271646;278039,278100;278846,278948;280610,280776;284609,28
4741;286352,286528;289432,289506;297292,297411;298520,298717;305151,305228;30660
5,306659;312808,312866;319882,319947;321613,321842;323360,323481;326011,326081;3
28788,328883;338860,338933;341140,341200;343053,343112;344699,344806;346260,3463
56;347101,347173;351781,352188

37709 151123,351883 151122,151365;201041,201122;204513,204551;
207615,207668;271596,271646;278039,278100;278846,278948;280610,280776;284609,284
741;286352,286528;289432,289506;296652,296783;297292,297411;298520,298717;305151
,305228;306605,306659;312808,312866;319882,319947;321613,321842;323360,323481;32
6011,326081;328788,328883;338860,338933;341140,341200;343053,343112;344699,34480
6;346260,346356;347101,347173;351781,353771

37709 175,351883 175,340;121420,121493;201041,201122;204513,20
4551;207615,207668;271596,271646;278039,278100;278846,278948;280610,280776;28460
9,284741;286352,286528;289432,289506;296652,296783;297292,297411;298520,298717;3
05151,305228;306605,306659;312808,312866;319882,319947;321613,321842;323360,3234
81;326011,326081;328788,328883;338860,338933;341140,341200;343053,343112;344699,
344806;346260,346356;347101,347173;351781,353771

37709 292,351883 180,340;121420,121493;201041,201122;204513,20
4551;207615,207668;271596,271646;278039,278100;278846,278948;280610,280776;28460
9,284741;286352,286528;289432,289506;296652,296783;297292,297411;298520,298717;3
05151,305228;306605,306659;312808,312866;319882,319947;321613,321842;323360,3234
81;326011,326081;328788,328883;338860,338933;341140,341200;343053,343112;344699,
344806;346260,346356;347101,347173;351781,353771

37709 278053,351883 293,340;121420,121493;201041,201122;204513
,204551;207615,207668;271596,271646;278039,278100;278846,278948;280610,280776;28
4609,284741;286352,286528;289432,289506;291092,291151;296652,296783;297292,29741
1;298520,298717;305151,305228;306605,306659;312808,312866;319882,319947;321613,3
21842;323360,323481;326011,326081;328788,328883;338860,338933;341140,341200;3430
53,343112;344699,344806;346260,346356;347101,347173;351781,351883

37710 195,53954 1,263;1079,1110;36205,36270;38643,38690;39694,
39764;46885,46958;49262,49363;50830,51006;53900,55639

37710 195,53954 1,263;1079,1110;36205,36270;38643,38690;39694,
39764;46885,46958;49262,49363;50830,51006;53900,55640

37710 195,53954 1,263;1079,1110;36205,36270;39694,39764;46885,
46958;49262,49363;50830,51006;53900,54602

37711 16233,204422 1,161;12059,12128;15976,16854;133346,133454
;143036,143151;143396,143477;145883,146015;148775,149360;149365,149397;149400,14
9706;150692,150813;152600,152715;155163,155304;158456,158617;162395,162488;19395
8,194189;194502,194661;195257,195607;198334,198625;201865,205998

37711 16233,204422 1,161;12059,12128;15976,16854;133346,133454
;143036,143151;143396,143477;145883,146015;148775,149706;150692,150813;152600,15
2715;155163,155304;158456,158617;162395,162488;193958,194189;194502,194661;19525

7,195607;198334,198625;201865,205998

37711 16233,204422 12076,12128;15976,16854;133346,133454;14303
6,143151;143396,143477;145883,146015;148775,149706;150692,150813;152600,152715;1
55163,155304;158456,158617;162395,162488;193958,194189;194502,194661;195257,1956
07;198334,198625;201865,204422

37712 239,13838 1,354;2896,3009;4056,4359;5024,5269;5352,5456;
9226,9343;9695,9751;9937,10012;11933,12080;12880,13263;13268,13345;13350,13415;1
3421,13837

37712 239,13324 1,354;2896,3009;4056,4359;5024,5269;5352,5456;
9226,9343;9695,9751;9937,10012;11933,12080;12880,14750

37713 126947,154464 126946,126971;130067,130285;130863,131058;
133498,133623;134957,135037;135745,135812;138063,138211;140818,140989;143514,143
627;144834,144872;145788,145964;149879,150028;154348,155085

37713 79,154464 1,381;41031,41151;64253,64323;73266,73360;7908
4,79234;99370,99577;100477,100576;106382,106503;113409,113466;114498,114650;1154
72,115523;118890,119020;121018,121074;121248,121259;122118,122291;124041,124170;
125202,125291;125511,125678;126800,126971;130067,130285;130863,131058;133498,133
623;134957,135037;135745,135812;138063,138211;140818,140989;143514,143627;145788
,145964;149879,150028;154348,155107

37713 79,154464 1,381;41031,41151;64253,64323;73266,73360;7908
4,79234;99370,99577;100477,100576;106382,106503;113409,113466;114498,114650;1154
72,115523;118890,119020;121018,121074;122118,122291;124041,124170;125202,125291;
125511,125678;126800,126971;130067,130285;130863,131058;133498,133623;134957,135
037;135745,135812;138063,138211;140818,140989;143514,143627;145788,145964;149879
,150028;154348,155107

37713 79133,113447 73264,73360;79084,79234;89013,89054;99370,9
9577;100477,100576;106382,106503;113409,113466;114498,114650;115472,115523;11889
0,119020;121018,121074;122118,122291;124041,124170;125202,125291;125511,125678;1
26800,126971;130067,130285;130863,131096

37713 74075,156013 73825,74235;79084,79234;99370,99577;100477,
100576;106382,106444;122229,122291;124041,124170;125202,125291;125511,125678;126
800,126971;130067,130285;130863,131058;133498,133623;134957,135037;135745,135812
;138063,138189;155931,156120;156439,156814

37713 74075,156013 73825,74235;79084,79234;99370,99577;100477,
100576;106382,106447;122232,122291;124041,124170;125202,125291;125511,125678;126
800,126971;130067,130285;130863,131058;133498,133623;134957,135037;135745,135812
;138063,138181;148720,148723;155921,156012

37714 87,33809 1,201;8510,8635;14376,14509;18886,19003;20490,2
0560;21508,21583;25999,26061;26147,26216;33727,34253;35311,35466

37714 9028,33809 8978,9160;14376,14509;18886,19003;20490,20560
;21508,21583;25999,26061;26147,26216;33727,35061

37715 41,895651 1,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8854;19
313,19527;22572,22680;22848,23051;895606,895651

37715 358832,359804 358512,359123;359565,360353

37715 41,513615 42,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8759;9
628,9743;19313,19527;22572,22680;22848,23051;513576,513615

37715 41,647322 42,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8759;9
628,9743;19313,19527;22572,22680;22848,23051;647310,647322

37715 41,821200 42,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8759;9
628,9743;19313,19527;22572,22680;22848,23051;821191,821200

37715 47,641523 48,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8800;9
663,9743;19313,19527;22572,22680;22848,23051;641484,641523

37716 382,200498 1,491;49107,49274;58104,58317;59366,59528;854
61,85592;86865,87002;88431,88670;89691,89858;90266,90322;96669,96710;96941,97003
;108737,108811;108985,109077;110784,110840;112045,112098;112468,112521;114960,11
5013;116438,116491;120120,120173;121888,121932;123876,123929;124649,124693;12519
5,125248;125505,125549;126605,126658;130985,131029;133054,133107;138297,138341;1
40862,140915;143184,143291;144190,144243;147350,147403;153277,153321;153457,1535
10;154569,154613;155043,155096;156603,156656;160149,160202;161083,161190;163170,
163259;163356,163409;164384,164491;167378,167485;168450,168503;169534,169587;169
687,169794;170644,170697;170800,170907;172178,172231;172992,173099;173771,173824
;174130,174183;175221,175274;175973,176026;176851,176958;177043,177096;177195,17
7248;178311,178418;180292,180345;181193,181228;181611,181664;182795,183050;18398
7,184099;188171,188239;193166,193399;200352,201088

37716 382,200498 1,491;49107,49274;58104,58317;59366,59528;854
61,85592;86865,87002;88431,88670;89691,89858;90266,90322;96669,96710;96941,97003
;108737,108811;108985,109077;110784,110840;112045,112098;112468,112521;114960,11
5013;116438,116491;120120,120173;121888,121932;123876,123929;124649,124693;12519
5,125248;125505,125549;126605,126658;130985,131029;133054,133107;140757,140778;1
40793,140818;140862,140915;143184,143291;144190,144243;147350,147403;153277,1533
21;153457,153510;154569,154613;155043,155096;156603,156656;160149,160202;161083,
161190;163170,163259;163356,163409;164384,164491;167378,167485;168450,168503;169
534,169587;169687,169794;170644,170697;170800,170907;172178,172231;172992,173099
;173771,173824;174130,174183;175221,175274;175973,176026;176851,176958;177043,17
7096;177195,177248;178311,178418;180292,180345;181193,181228;181611,181664;18279
5,183050;183987,184099;188171,188239;193166,193399;200352,201088

37717 382,200498 1,491;49107,49274;58104,58317;59366,59528;854
61,85592;86865,87002;88431,88670;89691,89858;90266,90322;96669,96710;96941,97003
;108737,108811;108985,109077;110784,110840;112045,112098;112468,112521;114960,11
5013;116438,116491;120120,120173;121888,121932;123876,123929;124649,124693;12519
5,125248;125505,125549;126605,126658;130985,131029;133054,133107;138297,138341;1
40862,140915;143184,143291;144190,144243;147350,147403;153277,153321;153457,1535
10;154569,154613;155043,155096;156603,156656;160149,160202;161083,161190;163170,
163259;163356,163409;164384,164491;167378,167485;168450,168503;169534,169587;169
687,169794;170644,170697;170800,170907;172178,172231;172992,173099;173771,173824
;174130,174183;175221,175274;175973,176026;176851,176958;177043,177096;177195,17
7248;178311,178418;180292,180345;181193,181228;181611,181664;182795,183050;18398
7,184099;188171,188239;193166,193399;200352,201088

37717 382,200498 1,491;49107,49274;58104,58317;59366,59528;854
61,85592;86865,87002;88431,88670;89691,89858;90266,90322;96669,96710;96941,97003
;108737,108811;108985,109077;110784,110840;112045,112098;112468,112521;114960,11
5013;116438,116491;120120,120173;121888,121932;123876,123929;124649,124693;12519
5,125248;125505,125549;126605,126658;130985,131029;133054,133107;140757,140778;1
40793,140818;140862,140915;143184,143291;144190,144243;147350,147403;153277,1533
21;153457,153510;154569,154613;155043,155096;156603,156656;160149,160202;161083,
161190;163170,163259;163356,163409;164384,164491;167378,167485;168450,168503;169
534,169587;169687,169794;170644,170697;170800,170907;172178,172231;172992,173099
;173771,173824;174130,174183;175221,175274;175973,176026;176851,176958;177043,17
7096;177195,177248;178311,178418;180292,180345;181193,181228;181611,181664;18279
5,183050;183987,184099;188171,188239;193166,193399;200352,201088

37718 7266,16857 1,38;4830,4938;5430,5467;6386,6424;6749,6787;
6940,6989;7245,7416;8161,8211;8543,8665;8756,8820;9988,10071;10542,10654;10748,1
0808;11002,11077;11291,11420;11547,11612;11689,11802;12022,13233;13380,13530;136
50,14239;14355,14444;14790,14915;15128,15220;15351,15428;15595,15672;16064,16232
;16324,16392;16538,16567;16719,17354

37718 2118,16857 1924,2223;4830,4938;5430,5467;6386,6424;6749,
6787;6940,6989;7245,7416;8161,8211;8543,8665;8756,8820;9988,10071;10542,10654;10
748,10808;11002,11077;11291,11420;11547,11612;11689,11802;12022,13233;13380,1353
0;13650,14239;14355,14444;14790,14915;15128,15220;15351,15428;15595,15672;16064,
16232;16324,16392;16538,16567;16719,17354

37718 3160,16857 2871,3235;4830,4938;5430,5467;6386,6424;6749,
6787;6940,6989;7245,7416;8161,8211;8543,8665;8756,8820;9988,10071;10542,10654;10
748,10808;11002,11077;11291,11420;11547,11612;11689,11802;12022,13233;13380,1353
0;13650,14239;14355,14444;14790,14915;15128,15220;15351,15428;15595,15672;16064,
16232;16324,16392;16538,16567;16719,17346

37718 3160,16857 3026,3235;4830,4938;5430,5467;6386,6424;6749,
6787;6940,6989;7245,7416;8161,8211;8543,8665;8756,8820;9988,10071;10542,10654;10
748,10808;11002,11077;11291,11420;11547,11612;11689,11802;12022,13233;13380,1353
0;13650,14239;14355,14444;14790,14915;15128,15220;15351,15428;15595,15672;16064,
16232;16324,16392;16538,16567;16719,17354

37719 1,19816 1,126;10003,10024;10941,11648;19808,19816

37719 10006,12950 6,126;10003,10024;10941,11648;12939,14525;17
428,17825

37720 89,412343 1,173;203137,203208;217118,217228;248671,24879
6;266634,266843;270468,270602;273779,273898;275557,275754;280650,280741;290448,2
90558;298804,298927;299294,299403;299574,299676;301858,301922;305028,305121;3055
21,305640;306906,307020;320034,320173;323256,323392;325085,325293;326356,326470;
326976,327177;331730,331839;333161,333241;340213,340336;340905,341026;344557,344
668;344749,344858;348338,348468;360066,360234;362491,362661;379575,379636;401246
,401303;403320,403394;406221,406395;408344,408467;412090,414175

37720 89,412343 89,173;203137,203208;217118,217228;248671,2487
96;266634,266843;270468,270602;273779,273898;275557,275754;280650,280741;290448,
290558;298804,298927;299294,299403;299574,299676;301858,301922;305028,305121;305
521,305640;306906,307020;320034,320173;323256,323392;325085,325293;326356,326470
;326976,327177;331730,331839;333161,333241;340213,340336;340905,341026;344557,34
4668;344749,344858;348338,348468;360066,360234;362491,362661;379575,379636;40124
6,401303;403320,403394;406221,406395;408344,408467;412090,414175

37721 89,412343 1,173;203137,203208;217118,217228;248671,24879
6;266634,266843;270468,270602;273779,273898;275557,275754;280650,280741;290448,2
90558;298804,298927;299294,299403;299574,299676;301858,301922;305028,305121;3055
21,305640;306906,307020;320034,320173;323256,323392;325085,325293;326356,326470;
326976,327177;331730,331839;333161,333241;340213,340336;340905,341026;344557,344
668;344749,344858;348338,348468;360066,360234;362491,362661;379575,379636;401246
,401303;403320,403394;406221,406395;408344,408467;412090,414175

37721 89,412343 89,173;203137,203208;217118,217228;248671,2487
96;266634,266843;270468,270602;273779,273898;275557,275754;280650,280741;290448,
290558;298804,298927;299294,299403;299574,299676;301858,301922;305028,305121;305
521,305640;306906,307020;320034,320173;323256,323392;325085,325293;326356,326470
;326976,327177;331730,331839;333161,333241;340213,340336;340905,341026;344557,34
4668;344749,344858;348338,348468;360066,360234;362491,362661;379575,379636;40124

6,401303;403320,403394;406221,406395;408344,408467;412090,414175
 37722 656,1712 1,88;185,339;536,2692
 37723 29,27082 1,370;22799,22862;25810,25903;27048,27128;30096
 ,31405
 37723 29,30109 1,370;22799,22862;25810,25903;30096,31405
 37723 29,33388 1,370;22799,22862;25810,25903;33273,35248
 37723 22214,30109 20756,22862;25810,25903;30096,31404
 37723 29,33388 29,113;315,518;22803,22862;25810,25903;33273,33
 387
 37724 181,59380 122,228;21546,21723;32057,32197;33698,33836;40
 092,40204;52346,52579;53038,53144;59284,62179
 37724 1,59380 1,228;21546,21723;32057,32197;33698,33836;40092,
 40204;52346,52579;53038,53144;59284,62183
 37725 10932,42398 10932,11741;15166,15363;17245,17400;20064,20
 187;32341,32535;34285,34443;34527,34617;42130,43043
 37725 10932,42398 1,180;10930,11741;15166,15363;17245,17400;20
 064,20187;32341,32535;34285,34443;34527,34617;42130,43621
 37725 10932,42398 446,537;10930,11741;15166,15363;17245,17400;
 20064,20187;32341,32535;34285,34443;34527,34617;42130,45122
 37725 480,42398 446,537;10930,11741;15166,15363;17245,17400;20
 064,20187;32341,32535;34285,34443;34527,34617;42130,45122
 37726 178,19921 1,265;13156,13177;13686,13755;16864,16973;1763
 6,17758;19827,20139
 37727 114,79766 1,168;12556,12759;38318,38449;41388,41607;4239
 4,42453;57236,57423;73724,73850;77629,77755;79385,83398
 37728 20,52857 1,147;9945,10057;12192,12298;13135,13249;13852,
 13883;17158,17239;21748,21910;23258,23413;24752,24844;26108,26204;28260,28333;29
 499,29609;32684,32798;33435,33588;37366,37531;41691,41839;42668,42831;43642,4384
 4;44981,45079;48831,48901;50959,51073;51758,51866;52779,53108
 37728 20,52857 1,147;9945,10057;12192,12298;13135,13249;13852,
 13883;17158,17239;21748,21914;23262,23413;24752,24844;26108,26204;28260,28333;29
 499,29609;32684,32798;33435,33588;37366,37531;41691,41839;42668,42831;43642,4384
 4;44981,45079;48831,48901;50959,51073;51758,51866;52779,53108
 37728 13171,21852 40,147;9944,9975;9979,10057;12191,12260;1226
 2,12298;13134,13167;13171,13249;13852,13883;17158,17239;21748,21855;21859,21914;
 23261,23296
 37729 44280,74670 1,159;44270,44407;48722,48878;51539,51628;52
 851,53025;56565,56695;56944,57095;57529,57684;58077,58256;58943,59030;59125,5924
 7;60301,60393;64217,64423;65910,66004;66106,66236;68679,68849;73599,73650;73960,
 74067;74543,77229
 37730 44280,74670 1,159;44270,44407;48722,48878;51539,51628;52
 851,53025;56565,56695;56944,57095;57529,57684;58077,58256;58943,59030;59125,5924
 7;60301,60393;64217,64423;65910,66004;66106,66236;68679,68849;73599,73650;73960,
 74067;74543,77229
 37731 28051,162938 1,242;28051,28172;33086,33186;69492,69569;1
 13665,113808;114137,114222;120345,120450;145765,145954;147469,147644;149333,1494
 56;149557,149639;157960,158100;162855,164286
 37732 116844,123908 1,264;93922,94007;116821,117222;120070,120
 175;123811,124703
 37732 116844,123908 787,1029;93922,94007;105649,105821;116821,

117222;120070,120175;123811,124703

37733 28051,162938 1,242;28051,28172;33086,33186;69492,69569;1
13665,113808;114137,114222;120345,120450;145765,145954;147469,147644;149333,1494
56;149557,149639;157960,158100;162855,164286

37734 224,78440 1,245;782,865;9032,9112;34705,34830;38700,3881
1;43013,43163;44715,44841;51273,51426;51919,52066;57061,58664;62192,62322;63832,
64018;71055,71123;78394,80172

37734 1408,12067 1409,1423;9032,9112;10574,13088

37734 224,78440 155,245;782,865;9032,9112;34705,34830;38700,38
811;43013,43163;44715,44841;51273,51426;51919,52066;57061,58664;60690,60833;6219
2,62322;63832,64018;71055,71123;78394,80271

37735 4791,5751 1,132;4737,6952

37735 4791,5751 2710,2994;4737,6952

37735 4791,5751 2728,2994;4737,6952

37736 40,125655 1,364;57693,57764;58543,58652;61008,61665;7164
4,71831;84241,84558;86252,86467;86959,87193;94548,94698;95376,95469;99358,99489;
104460,104612;112883,112967;114561,114645;115116,115244;118174,118295;119510,119
655;120212,120330;121047,121228;121840,121922;122480,122603;123217,123385;125471
,126491

37736 256,125655 1,364;57693,57764;58543,58652;61008,61665;716
44,71831;84241,84558;86252,86467;86959,87193;94548,94698;95376,95469;99358,99489
;104460,104612;112883,112967;114561,114645;115116,115244;118174,118295;119510,11
9655;120212,120330;121047,121228;121840,121922;122480,122603;123217,123385;12547
1,126495

37737 69,29002 1,167;2136,2345;14829,14909;26061,26215;26301,2
6418;26516,26617;26695,26907;26990,27151;27221,27301;27371,27440;27522,27654;277
31,27911;27991,28279;28493,28577;28662,28769;28848,29001

37737 69,29002 1,167;2136,2345;14829,14909;26061,26215;26301,2
6418;26516,26617;26695,26907;26990,27151;27221,27301;27371,27440;27522,27654;277
31,27911;27991,28279;28493,28577;28662,28769;28848,29065

37738 126,78313 1,190;53568,53712;57995,58046;64197,64319;6497
2,65055;68407,68530;70362,70516;70873,70975;71147,71208;73194,73311;73754,73877;
75186,75281;78001,78092;78186,81813

37738 53578,78313 33,190;53568,53712;57995,58046;64197,64319;6
4972,65055;68407,68530;70362,70516;70873,70975;71147,71208;73194,73311;73754,738
77;75186,75281;78001,78092;78186,81452

37739 90362,236191 1,450;90343,90584;111289,111357;160872,1609
94;167344,167457;170381,170503;172048,173271;174283,174405;211699,211805;213322,
213537;217122,217305;217936,217995;218117,218409;219895,220008;221884,221976;231
710,231791;233862,233974;235870,236059;236183,238526

37739 178981,236191 178909,180184;211699,211805;213322,213537;
217122,217305;217936,217995;218117,218409;219895,220008;221884,221976;231710,231
791;233862,233974;235870,236059;236183,238526

37739 90362,113765 2,450;90343,90584;111289,111357;113757,1161
42

37739 90362,236289 313,449;90343,90584;111289,111357;160872,16
0994;167344,167457;172048,173271;174283,174405;211699,211805;213322,213537;21712
2,217305;217936,217995;218117,218409;231710,231791;233862,233974;235870,236059;2
36284,237354

37740 90362,236191 1,450;90343,90584;111289,111357;160872,1609

94;167344,167457;170381,170503;172048,173271;174283,174405;211699,211805;213322,213537;217122,217305;217936,217995;218117,218409;219895,220008;221884,221976;231710,231791;233862,233974;235870,236059;236183,238526

37740 178981,236191 178909,180184;211699,211805;213322,213537;217122,217305;217936,217995;218117,218409;219895,220008;221884,221976;231710,231791;233862,233974;235870,236059;236183,238526

37740 90362,113765 2,450;90343,90584;111289,111357;113757,116142

37740 90362,236289 313,449;90343,90584;111289,111357;160872,160994;167344,167457;172048,173271;174283,174405;211699,211805;213322,213537;217122,217305;217936,217995;218117,218409;231710,231791;233862,233974;235870,236059;236284,237354

37741 126,78313 1,190;53568,53712;57995,58046;64197,64319;64972,65055;68407,68530;70362,70516;70873,70975;71147,71208;73194,73311;73754,73877;75186,75281;78001,78092;78186,81813

37741 53578,78313 33,190;53568,53712;57995,58046;64197,64319;64972,65055;68407,68530;70362,70516;70873,70975;71147,71208;73194,73311;73754,73877;75186,75281;78001,78092;78186,81452

37742 0,39721 1,369;38519,42785

37743 342,3680 1,79;320,371;2004,2103;2194,2300;2430,2520;2611,2726;2819,2900;3094,3506;3611,3880

37743 342,3680 28,79;320,371;2004,2103;2194,2300;2430,2520;2611,2726;2819,2900;3094,3506;3611,3880

37744 26844,75846 1,74;26806,26865;30961,31026;31656,31697;33320,33376;33779,33892;34947,35027;40339,40407;42016,42114;44205,44285;44912,44950;45433,45525;45661,45747;46822,46923;50509,50592;51512,51559;52685,52780;54754,54849;58227,58328;58825,58908;61611,61661;61750,61821;66441,66539;69388,69492;70220,70312;71605,71649;72074,72166;74698,74769;75811,75869;76807,76981

37744 34961,75846 32476,32585;33320,33376;33779,33892;34947,35027;40339,40407;42016,42114;44205,44285;45433,45525;45661,45747;46822,46923;50509,50592;51512,51559;52685,52780;54754,54849;58227,58328;58825,58908;61611,61661;61750,61821;66441,66539;69388,69492;70220,70312;71605,71649;72074,72166;74698,74769;75811,75869;76807,76986

37744 47793,75846 46881,46924;47736,47913;50509,50592;51512,51559;52685,52780;54754,54849;58227,58328;58825,58908;61611,61661;61750,61821;66441,66539;69391,69492;70220,70312;71605,71649;72074,72166;74698,74769;75811,75869;76807,77054;77435,77578

37744 26844,75846 6968,7082;26806,26865;30961,31026;31656,31697;33320,33376;33779,33892;34947,35027;40339,40407;42016,42114;44205,44285;45433,45525;45661,45747;46822,46923;50509,50592;51512,51559;52685,52780;54754,54849;58227,58328;58825,58908;61611,61661;61750,61821;66441,66539;69388,69492;70220,70312;71605,71649;72074,72166;74698,74769;75811,75869;76807,78846

37744 26844,75846 6968,7082;26806,26865;31656,31697;33320,33376;33779,33892;34947,35027;40339,40407;42016,42114;44205,44285;44912,44950;45433,45525;45661,45747;46822,46923;50509,50592;51512,51559;52685,52780;54754,54849;58227,58328;58825,58908;61611,61661;61750,61821;66441,66539;69388,69492;70220,70312;71605,71649;72074,72166;74698,74769;75811,75869;76807,78846

37744 26844,75846 6973,7082;26806,26865;31656,31697;33779,33892;34947,35027;40339,40407;42016,42114;44205,44285;44912,44950;45433,45525;45661,45747;46822,46923;50509,50592;51512,51559;52685,52780;54754,54849;58227,58328;58

825,58908;61611,61661;61750,61821;66441,66539;69388,69492;70220,70312;71605,71649;72074,72166;74698,74769;75811,75869;76807,77400
37745 298,79832 1,405;63313,63400;64306,64408;64589,64697;77448,77566;79744,80418
37745 298,79832 298,405;63313,63400;64306,64408;64589,64697;77448,77566;79744,79831
37746 2,338008 1,131;147540,147665;178373,178484;197219,197363;205514,205645;228095,228160;229517,229585;270208,270330;279408,279536;290313,290527;297659,297746;330830,330932;337922,340074
37746 2,343514 1,131;147540,147665;178373,178484;197219,197363;205514,205645;228095,228160;229517,229585;270208,270330;279408,279536;290313,290527;297659,297746;330830,330932;343470,343519;354805,355023
37746 86,338008 5,131;147540,147665;178373,178484;197219,197363;205514,205645;228095,228160;229517,229585;270208,270330;279408,279536;290313,290527;297659,297746;330830,330932;337922,340074
37746 86,343514 5,131;147540,147665;178373,178484;197219,197363;205514,205645;228095,228160;229517,229585;270208,270330;279408,279536;290313,290527;297659,297746;330830,330932;343470,343519;354806,355023
37747 2,338008 1,131;147540,147665;178373,178484;197219,197363;205514,205645;228095,228160;229517,229585;270208,270330;279408,279536;290313,290527;297659,297746;330830,330932;337922,340074
37747 2,343514 1,131;147540,147665;178373,178484;197219,197363;205514,205645;228095,228160;229517,229585;270208,270330;279408,279536;290313,290527;297659,297746;330830,330932;343470,343519;354805,355023
37747 86,338008 5,131;147540,147665;178373,178484;197219,197363;205514,205645;228095,228160;229517,229585;270208,270330;279408,279536;290313,290527;297659,297746;330830,330932;337922,340074
37747 86,343514 5,131;147540,147665;178373,178484;197219,197363;205514,205645;228095,228160;229517,229585;270208,270330;279408,279536;290313,290527;297659,297746;330830,330932;343470,343519;354806,355023
37748 380,86033 1,394;27545,27667;31587,31781;34464,34656;35833,35949;37219,37332;54213,54309;58920,58999;59126,59284;63343,63474;67744,67898;69712,69779;70293,70444;83413,83525;85964,86065;87093,91181
37748 380,86033 1,394;27545,27667;31587,31781;34464,34656;35833,35949;37219,37332;54213,54309;58920,58999;59126,59284;63343,63474;67744,67898;69712,69779;70293,70444;83413,83525;85964,86065;87094,91181
37749 315,205112 1,333;53025,53063;60284,60339;86662,86693;90056,90169;127099,127387;158270,158347;180709,180793;192745,192918;193639,193716;196185,196322;203415,203520;204940,205721
37749 86662,205112 1,333;53025,53063;60284,60339;86662,86693;90056,90169;127099,127387;158270,158347;180709,180793;192745,192918;193639,193716;196185,196322;203415,203538;204940,205713
37750 35232,58203 1,127;35196,35472;38353,38428;39059,39106;56308,56465;57502,57615;57859,58019;58119,58867
37750 35232,58196 2,127;6089,6114;35196,35472;38353,38428;39059,39106;56308,56465;57502,57615;57859,58019;58119,58869
37750 35232,58196 2,127;6089,6114;35196,35472;38353,38467;39059,39106;56308,56465;57502,57615;57859,58019;58119,58869
37750 35232,58203 35232,35347;39059,39106;56308,56465;57502,57615;57859,58019;58119,58867

37750 35232,58191 3909,6824;35196,35472;38353,38428;39059,3910
 6;56308,56465;57502,57615;57859,58019;58119,58869
 37751 100,4070 1,102;2246,2468;2621,2769;3089,4277
 37751 100,4070 1,102;2246,2468;2621,2769;3089,4282
 37751 57779,61122 57684,57781;59357,59579;59689,59837;60141,61
 293
 37751 59357,61122 57684,59579;59689,59837;60141,61293
 37751 57779,61122 57712,57781;59357,59579;59689,59837;60141,61
 294
 37752 100,8146 1,103;4384,4606;4747,4895;7172,8249
 37752 100,8252 25,103;4384,4606;4747,4895;7565,7989;8066,8252
 37753 159,90299 1,313;2857,2974;17406,17424;56712,56800;82505,
 82626;84493,84671;90216,93629
 37754 3942,419510 1,228;1769,1834;3919,4070;39218,39294;97379,
 97473;134612,134806;155111,155185;238657,238766;346588,346687;350709,350779;3541
 66,354248;407724,407877;419468,419539;447836,448284
 37754 3942,447899 1,228;1769,1834;3919,4070;39218,39294;97379,
 97473;134612,134806;155111,155185;238657,238766;346588,346687;350709,350779;3541
 66,354248;407724,407877;447836,448284
 37754 3942,419510 179,228;1769,1834;3919,4070;39218,39294;9737
 9,97473;134612,134806;155111,155185;238657,238766;346588,346687;350709,350779;35
 4166,354248;407724,407877;419468,419539;447836,448102
 37754 3942,419510 76,228;3919,4070;39218,39294;97379,97473;134
 612,134806;155111,155185;238657,238766;346588,346687;350709,350779;354166,354248
 ;407724,407877;419468,419539;447836,448284
 37754 3942,436819 76,228;3919,4070;39218,39294;97379,97473;134
 612,134806;155111,155185;238657,238766;346588,346687;350709,350779;354166,354248
 ;407724,407877;436660,436833;447836,448284
 37754 3942,447899 76,228;3919,4070;39218,39294;97379,97473;134
 612,134806;155111,155185;238657,238766;346588,346687;350709,350779;354166,354248
 ;407724,407877;447836,448284
 37755 19847,196889 1,274;19839,19991;79679,79865;104233,104341
 ;135614,135998;143437,143640;155669,155784;186840,186943;190259,190340;196484,19
 7870
 37755 73,196889 1,274;19839,19991;79679,79865;104233,104341;13
 5614,135998;143437,143640;155669,155784;186840,186943;190259,190340;196484,19787
 0
 37755 30871,196889 30871,30970;79679,79865;104233,104341;13561
 4,135998;143437,143640;155669,155784;186840,186943;190259,190340;196484,197870
 37756 46,4569 1,198;3014,3101;3218,3320;3417,3525;4292,4410;44
 84,4849
 37757 89899,129960 1,42;15496,15596;59587,59637;89889,90090;90
 451,90554;108446,108631;112256,113229;115211,115329;123383,123533;126399,126487;
 129151,129256;129790,129969
 37757 89899,129960 470,540;15496,15596;59587,59637;89889,90090
 ;90451,90554;108446,108631;112256,113229;115211,115329;123383,123533;126399,1264
 87;129151,129256;129790,131999
 37757 89899,129960 57210,57470;59587,59637;89889,90090;90451,9
 0554;108446,108631;112256,113229;115211,115329;123383,123533;126399,126487;12915
 1,129256;129790,131999

37758 43,72437 1,183;15471,15592;22021,22156;22232,22381;22827
,22874;30752,30807;39896,39968;43459,43520;50696,50761;59355,59444;62850,62949;6
6260,66405;68796,68910;72389,73564

37759 1206,339515 13,67;912,1310;41410,41467;58281,58376;65354
,65407;120102,120283;125034,125174;152422,152525;153184,153306;158746,158986;168
361,168547;236733,236911;237817,237865;242275,243177;249532,249675;273203,273350
;281946,282053;284731,284855;287545,287683;287886,287992;290658,290781;331550,33
1649;332758,332831;339081,339195;339425,340499

37759 1206,158918 15,67;912,1310;41410,41467;58281,58376;65354
,65407;120102,120283;125034,125173;153184,153306;158746,158986;168361,168547;236
733,236911;237817,237865;242275,243177;249532,249675;273203,273350;281946,282053
;284731,284855;287545,287683;287886,287992;290658,290781;331550,331649;332758,33
2831;339081,339195;339425,340499

37759 1206,339515 1,67;912,1310;41410,41467;58281,58376;65354,
65407;120102,120283;125034,125173;152421,152525;153184,153306;158746,158986;1683
61,168547;236733,236911;237817,237865;242275,243177;249532,249675;273203,273350;
281946,282053;284731,284855;287545,287683;287886,287992;290658,290781;331550,331
649;332758,332831;339081,339195;339425,340499

37760 26,13808 1,83;335,508;3388,3516;4265,4387;9190,9252;1021
1,10298;13402,13959

37760 26,13808 24,83;335,508;3388,3516;4265,4387;9190,9252;102
11,10298;13402,13809

37760 26,13808 27,83;335,508;3388,3516;4265,4387;10211,10298;1
3402,13808

37761 76,21393 1,505;21136,25058

37762 72,4770 1,141;2595,2625;2740,2828;3050,3222;4635,5852

37762 2819,4770 13,141;2096,2162;2595,2625;2740,2828;3050,3222
;4635,5852

37762 2819,4770 14,141;2096,2252;2595,2625;2740,2828;3050,3222
;4635,5852

37762 72,4770 28,141;2595,2625;2740,2828;3050,3222;4635,6464

37763 10769,23387 1,92;10756,10825;12283,12345;13741,13828;152
63,15384;17173,17293;19357,19490;20448,20596;22722,22870;23358,25507

37764 125,59572 1,189;1503,1597;13697,13756;21340,21394;22267,
22332;25253,25325;25471,25573;25977,26060;26504,26598;27239,27361;32045,32128;32
375,32417;37075,37118;49239,49307;50502,50546;52856,52904;57032,57107;57469,5756
3;59339,59583;60081,62085

37764 125,59572 1,189;1503,1597;13697,13756;21340,21394;22267,
22332;25253,25325;25471,25573;25977,26060;26504,26598;27239,27361;32045,32128;32
375,32417;37075,37118;50502,50546;52856,52904;57032,57107;57469,57563;59339,5958
3;60081,62085

37764 1504,59572 32,189;1063,1196;1503,1597;13697,13756;21340,
21394;22267,22332;25253,25325;25471,25573;25977,26060;26504,26598;27239,27361;32
045,32128;32375,32417;34985,35047;37075,37118;46465,46497;49239,49307;50502,5054
6;52856,52904;54941,55054;57032,57107;57469,57563;59339,59583;60081,60170

37764 125,59572 6,189;1503,1597;13697,13756;21340,21394;22267,
22332;25253,25325;25471,25573;25977,26060;26504,26598;27239,27361;32045,32128;32
375,32417;34985,35047;37075,37118;46465,46497;50502,50546;52856,52904;57032,5710
7;57469,57563;59339,59583;60081,62085

37764 125,57071 6,189;1503,1597;13697,13756;21340,21394;22267,

22332;25253,25325;25471,25573;25977,26060;26504,26598;27239,27361;32045,32128;32
375,32417;37075,37118;49239,49265;50502,50546;52856,52904;54969,55054;57032,5710
7;57469,57563;59339,59583;60081,62085

37764 125,59572 6,189;1503,1597;13697,13756;21340,21394;22267,
22332;25253,25325;25471,25573;25977,26060;26504,26598;27239,27361;32045,32128;32
375,32417;37075,37118;49239,49265;50502,50546;52856,52904;57032,57107;57469,5756
3;59339,59583;60081,62085

37764 125,59572 6,189;1503,1597;13697,13756;21340,21394;22267,
22332;25253,25325;25471,25573;25977,26060;26504,26598;27239,27361;32045,32128;32
375,32417;37075,37118;49239,49307;50502,50546;52856,52904;54941,55054;57032,5710
7;57469,57563;59339,59583;60081,62085

37764 125,59572 6,189;1503,1597;13697,13756;21340,21394;22267,
22332;25253,25325;25471,25573;25977,26060;26504,26598;27239,27361;32045,32128;32
375,32417;37075,37118;50502,50546;52856,52904;57032,57107;57469,57563;59339,5958
3;60081,62085

37765 0,41489 1,82;7177,7227;8368,8397;9520,9552;13029,13064;1
4427,14474;23752,23796;24976,25122;26529,26582;28084,28248;28485,28526;31699,318
60;31953,31997;32189,32314;32914,32952;34966,35007;41216,41217;41220,41489

37765 0,40513 1,82;7177,7227;8368,8397;9520,9552;13029,13064;1
4427,14519;14797,14847;14931,14981;15692,15733;17035,17106;18001,18030;18509,185
80;19488,19529;19955,20014;20316,20369;23563,23652;23737,23796;24976,25122;26529
,26582;28084,28248;28485,28526;29453,29509;31699,31860;31953,31997;32189,32413;3
2914,32952;34966,35037;35123,35182;35434,35508;37507,37545;37757,37810;38545,385
89;40470,40513

37765 0,40513 1,82;7177,7227;8368,8397;9520,9552;13029,13064;1
4427,14519;14797,14847;14931,14981;15692,15733;17035,17106;18001,18030;18509,185
80;19488,19529;19955,20014;20316,20369;23563,23652;23737,23796;24976,25122;26529
,26582;28084,28248;28485,28526;31699,31860;31953,31997;32189,32314;32914,32952;3
4966,35037;35123,35182;35434,35508;37507,37545;38545,38589;40470,40513

37765 0,40513 1,82;7177,7227;8368,8397;9520,9552;14427,14519;1
4797,14847;14931,14981;15692,15733;17035,17106;18509,18580;19955,20014;20316,203
69;23563,23652;23737,23796;24976,25122;26529,26582;28084,28170;28485,28526;31699
,31860;31953,31997;32189,32314;32914,32952;34966,35037;35123,35182;35434,35508;3
7507,37545;37757,37810;38545,38589;40470,40513

37765 7178,32951 7179,7227;8368,8397;9520,9552;13029,13064;144
27,14519;14797,14847;14931,14981;15692,15733;17035,17106;18001,18030;18509,18580
;19488,19529;19955,20014;20316,20369;23563,23652;23737,23796;24976,25122;26529,2
6582;28084,28248;28485,28526;29195,29281;29453,29509;31681,31860;31953,31997;321
89,32314;32914,32951

37766 121,2041 1,378;1507,1590;1832,1864;1972,2309

37767 94,2040 1,223;1942,2039

37767 94,2040 1,223;1942,2102;4130,4260;4521,4705;5172,5323;56
73,5799;7302,7454;7671,8971

37767 94,8137 1,223;4130,4260;4521,4705;5172,5323;5673,5799;73
02,7454;7671,8971

37768 1406,28533 1,271;1399,1626;2806,2996;5950,6039;6501,6621
;8687,8776;10662,10797;14154,14362;14645,14712;16125,16247;18120,18215;20324,204
40;20544,20699;21134,21236;21369,21539;21968,22130;28452,28559;29012,29880

37768 5952,28533 365,556;1399,1626;2806,2996;5950,6039;6501,66
21;8687,8776;10662,10797;14154,14362;14645,14712;16125,16247;18120,18215;20324,2

0440;20544,20699;21134,21236;21369,21539;21968,22130;28452,28559;29012,31173
37769 70,79721 1,253;5551,5670;6250,6318;10174,10230;11647,117
60;33532,33642;43451,43559;47647,47767;50725,50806;66636,66759;76498,76605;76850
,76950;77329,77427;78453,78552;79600,79858
37769 11649,76748 9845,10230;11647,11760;33532,33642;43451,435
59;47647,47767;50725,50806;66636,66759;76498,76950;77329,77427;78453,78552;79600
,79866
37770 13,24754 1,228;8505,8613;11254,11396;13371,13555;14583,1
4671;20135,20275;22029,22340;22576,22727;22853,23055;23365,23457;24615,24756;334
37,35768
37771 61,27573 1,299;17223,17329;21521,21551;22494,22620;23248
,23332;24123,24260;25805,25887;26579,26711;27115,29863
37771 61,27573 1,299;17223,17329;21521,21551;22494,22620;23248
,23332;24123,24260;25805,25887;26579,26711;27115,29868
37772 380,69899 1,409;21088,21156;28369,28486;28886,29081;3944
0,39626;46231,46392;48348,48444;49673,49841;60988,61120;67970,68157;69883,71406
37772 380,69899 1,409;28369,28486;28886,29081;39440,39626;4623
1,46392;48348,48444;49673,49841;60988,61120;67970,68157;69883,71406
37772 28369,69899 1,409;28369,28486;28886,29081;39440,39626;46
231,46392;48348,48444;49673,49841;60988,61132;67970,68157;69883,71406
37772 2685,70086 2685,2711;21088,21156;28369,28486;28886,29081
;39440,39626;46231,46392;48348,48444;49673,49841;60988,61132;67970,68137;68139,6
8157;69883,71406
37772 2685,69899 2685,2711;21088,21156;28369,28486;28886,29081
;39440,39626;46231,46392;48348,48444;49673,49841;60988,61132;67970,68157;69883,7
1406
37772 39555,68022 281,409;28369,28486;28886,29081;39440,39626;
46231,46392;48348,48444;49673,49841;67970,68157;69883,71221
37772 48405,69899 307,409;21088,21156;28369,28486;28886,29081;
39440,39626;46231,46392;48348,48444;49673,49841;60988,61132;67970,68157;69883,71
221
37773 26,2720 1,31;343,421;717,871;1727,1823;1900,2082;2472,37
38
37774 212,62670 1,220;17675,17848;18626,18692;22930,23011;2505
0,25159;25573,25626;29095,29206;29951,30040;30131,30269;32111,32183;33499,33619;
34596,34680;39863,39916;40394,40513;41769,41878;45417,45538;50100,50242;53467,53
567;53795,54033;58269,58331;60439,60513;62575,64727
37774 212,62670 3,220;17675,17848;18626,18692;22930,23011;2505
0,25159;25573,25626;29095,29206;29951,30040;30131,30269;32111,32183;33499,33619;
34596,34680;39863,39916;40394,40513;41769,41878;45417,45538;50100,50242;53467,53
567;53795,54033;58269,58331;60439,60513;62575,64729
37775 250,17681 1,118;212,399;886,973;12683,12792;15906,16040;
17429,19472
37775 250,17681 17,118;212,399;886,973;12683,12792;15906,16040
;17429,19469
37776 158,28016 1,860;863,967;8549,8673;21680,21750;24325,2677
1;27708,28016
37776 158,28016 39,860;863,967;8549,8673;21680,21750;24325,280
16
37776 158,28016 39,967;8549,8673;21680,21750;24325,26771;27708

,30541
37776 158,28016 39,967;8549,8673;21680,21750;24325,30541
37777 186,152362 1,292;80838,80961;133516,133589;146750,146864
;148689,148771;152250,153593
37777 67854,152362 67799,67909;80838,80961;133516,133589;14675
0,146864;148689,148771;152250,153593
37777 80809,152362 80810,80961;99636,99718;108305,108399;10893
2,109043;121331,121415;133516,133589;134817,134935;146704,146864;148689,148771;1
52250,153593
37778 0,503221 1,645;648,707;503042,503221
37778 315638,318758 315608,315729;317406,317539;317795,317896;
318043,318155;318635,319169
37779 1589,67493 1,489;1543,2321;10805,10938;12677,13259;16365
,16499;18123,18344;23220,23393;28273,28418;30208,30411;38315,38516;39672,39859;4
1036,41246;42919,43084;56153,56317;60385,60596;62426,62557;65216,65316;65742,658
30;66086,66194;67322,67873
37780 34,51394 1,58;8984,9035;23507,23586;26051,26114;29098,29
209;30585,30657;36601,36654;38335,38462;41747,41801;43423,43491;45112,45264;4536
2,45533;48920,48989;49632,49773;50569,50770;51285,52282
37781 1,199352 1,342;77982,78062;80753,80909;92433,92729;93495
,93570;93856,93957;94067,94168;95825,96021;99967,100059;105045,105165;128216,128
802;164842,164908;170890,170996;189301,189399;190259,190411;190564,190671;191737
,191901;193434,193559;193898,193969;194160,194246;194864,195001;196509,196679;19
7695,197792;199349,202154
37781 145,199352 7,342;77982,78062;80753,80909;92433,92729;934
95,93570;93856,93957;94067,94168;95825,96021;99967,100059;105045,105165;128216,1
28802;164842,164908;170890,170996;189301,189399;190259,190411;190564,190671;1917
37,191901;193434,193559;193898,193969;194160,194246;194864,195001;196509,196679;
197695,197792;199349,202154
37782 125,59572 1,189;1503,1597;13697,13756;21340,21394;22267,
22332;25253,25325;25471,25573;25977,26060;26504,26598;27239,27361;32045,32128;32
375,32417;37075,37118;49239,49307;50502,50546;52856,52904;57032,57107;57469,5756
3;59339,59583;60081,62085
37782 125,59572 1,189;1503,1597;13697,13756;21340,21394;22267,
22332;25253,25325;25471,25573;25977,26060;26504,26598;27239,27361;32045,32128;32
375,32417;37075,37118;50502,50546;52856,52904;57032,57107;57469,57563;59339,5958
3;60081,62085
37782 125,59572 6,189;1503,1597;13697,13756;21340,21394;22267,
22332;25253,25325;25471,25573;25977,26060;26504,26598;27239,27361;32045,32128;32
375,32417;34985,35047;37075,37118;46465,46497;50502,50546;52856,52904;57032,5710
7;57469,57563;59339,59583;60081,62085
37782 125,57071 6,189;1503,1597;13697,13756;21340,21394;22267,
22332;25253,25325;25471,25573;25977,26060;26504,26598;27239,27361;32045,32128;32
375,32417;37075,37118;49239,49265;50502,50546;52856,52904;54969,55054;57032,5710
7;57469,57563;59339,59583;60081,62085
37782 125,59572 6,189;1503,1597;13697,13756;21340,21394;22267,
22332;25253,25325;25471,25573;25977,26060;26504,26598;27239,27361;32045,32128;32
375,32417;37075,37118;49239,49265;50502,50546;52856,52904;57032,57107;57469,5756
3;59339,59583;60081,62085
37782 125,59572 6,189;1503,1597;13697,13756;21340,21394;22267,

22332;25253,25325;25471,25573;25977,26060;26504,26598;27239,27361;32045,32128;32
375,32417;37075,37118;49239,49307;50502,50546;52856,52904;54941,55054;57032,5710
7;57469,57563;59339,59583;60081,62085

37782 125,59572 6,189;1503,1597;13697,13756;21340,21394;22267,
22332;25253,25325;25471,25573;25977,26060;26504,26598;27239,27361;32045,32128;32
375,32417;37075,37118;50502,50546;52856,52904;57032,57107;57469,57563;59339,5958
3;60081,62085

37783 68732,208769 1,86;418,639;54523,54679;56308,56470;68629,
68772;142543,142743;177285,177344;183853,184014;192178,192380;196108,196213;2016
31,203441;205438,205618;208177,210704

37783 740,208769 718,798;142543,142743;183853,184014;192178,19
2380;196108,196213;201631,203441;205438,205618;208177,208897

37783 740,208769 719,798;142543,142743;177285,177344;183853,18
4014;192178,192380;196108,196213;201631,203441;205438,205618;208177,209311

37783 740,208769 722,798;142543,142743;177285,177344;183853,18
4014;192178,192380;196108,196213;201631,203441;205438,205618;208177,210695

37783 68732,208769 722,798;54523,54679;68629,68772;142543,1427
43;177285,177344;183853,184014;192178,192380;196108,196213;201631,203441;205438,
205618;208177,210695

37784 68732,208769 1,86;418,639;54523,54679;56308,56470;68629,
68772;142543,142743;177285,177344;183853,184014;192178,192380;196108,196213;2016
31,203441;205438,205618;208177,210704

37784 740,208769 718,798;142543,142743;183853,184014;192178,19
2380;196108,196213;201631,203441;205438,205618;208177,208897

37784 740,208769 719,798;142543,142743;177285,177344;183853,18
4014;192178,192380;196108,196213;201631,203441;205438,205618;208177,209311

37784 740,208769 722,798;142543,142743;177285,177344;183853,18
4014;192178,192380;196108,196213;201631,203441;205438,205618;208177,210695

37784 68732,208769 722,798;54523,54679;68629,68772;142543,1427
43;177285,177344;183853,184014;192178,192380;196108,196213;201631,203441;205438,
205618;208177,210695

37785 270,118502 1,409;21282,21541;67819,67980;76004,76087;926
43,92784;93149,93288;102437,102530;105225,105312;107653,107735;108083,108152;108
475,110677;112984,113120;113718,113938;115260,115332;116453,116568;117749,117867
;118197,121144

37785 21538,118502 21515,21541;67819,67980;76004,76087;89016,8
9048;92643,92784;93149,93288;102437,102530;105225,105312;107653,107735;108083,10
8152;108475,110677;112984,113120;113718,113938;115260,115332;116453,116568;11774
9,117867;118197,121144

37786 20,26025 1,192;1573,1676;2056,2127;4295,4375;5030,5086;5
389,5479;7389,7450;8009,8105;8552,8633;25340,25452;25886,26342

37786 80,7681 56,192;1573,1637;2023,2127;4295,4375;5030,5086;5
389,5479;7389,8105;8552,8633;25340,25452;25886,27179

37786 80,7681 56,192;1573,1676;2056,2127;4295,4375;5030,5086;5
389,5479;7389,8105;8552,8633;25340,25452;25886,27179

37787 19020,19930 10850,10950;11022,11136;11231,11421;11577,11
727;11799,12003;12185,12349;12452,12632;12749,12961;13052,13248;13327,13509;1382
6,14010;14113,14233;14519,14755;14885,15091;15360,15462;15605,15921;15998,16211;
16333,16438;16547,16658;16761,16821;16905,17079;17174,17289;17369,17516;17614,17
737;17818,17950;18186,18303;18552,18730;18799,18940;19020,19154;19279,19382;1946

1, 19503; 19506, 19553; 19870, 19972; 20055, 20192; 20301, 20507; 20959, 21689
 37787 51, 20995 1, 206; 4687, 4780; 5863, 5982; 6058, 6221; 6445, 6572; 6
 922, 7032; 7313, 7531; 7862, 8229; 8428, 8587; 9617, 9745; 9853, 10020; 10108, 10204; 10572, 10
 745; 10848, 10950; 11022, 11136; 11231, 11421; 11577, 11727; 11799, 12003; 12185, 12349; 1245
 2, 12632; 12749, 12961; 13052, 13248; 13327, 13509; 13826, 14010; 14113, 14233; 14519, 14755;
 14885, 15091; 15360, 15462; 15605, 15921; 15998, 16211; 16333, 16438; 16547, 16658; 16761, 16
 821; 16905, 17079; 17174, 17289; 17369, 17516; 17614, 17737; 17818, 17950; 18186, 18303; 1855
 2, 18730; 18799, 18940; 19020, 19154; 19279, 19382; 19461, 19553; 19870, 19972; 20055, 20192;
 20301, 20507; 20959, 21689
 37787 51, 20995 1, 206; 4687, 4780; 5871, 5982; 6058, 6221; 6445, 6572; 6
 922, 7032; 7313, 7531; 7862, 8229; 8428, 8587; 9617, 9745; 9853, 10020; 10108, 10204; 10572, 10
 745; 10848, 10950; 11022, 11136; 11231, 11421; 11577, 11727; 11799, 12003; 12185, 12349; 1245
 2, 12632; 12749, 12961; 13052, 13248; 13327, 13509; 13826, 14010; 14113, 14233; 14519, 14755;
 14885, 15091; 15360, 15462; 15605, 15921; 15998, 16211; 16333, 16438; 16547, 16658; 16761, 16
 821; 16905, 17079; 17174, 17289; 17369, 17516; 17614, 17737; 17818, 17950; 18186, 18303; 1855
 2, 18730; 18799, 18940; 19020, 19154; 19279, 19382; 19461, 19553; 19870, 19972; 20055, 20192;
 20301, 20507; 20959, 21689
 37787 783, 20995 635, 848; 4687, 4780; 5863, 5982; 6058, 6221; 6445, 657
 2; 6922, 7032; 7313, 7531; 7862, 8229; 8428, 8587; 9617, 9745; 9853, 10020; 10108, 10204; 10572
 , 10745; 10848, 10950; 11022, 11136; 11231, 11421; 11577, 11727; 11799, 12003; 12185, 12349; 1
 2452, 12632; 12749, 12961; 13052, 13248; 13327, 13509; 13826, 14010; 14113, 14233; 14519, 147
 55; 14885, 15091; 15360, 15462; 15605, 15921; 15998, 16211; 16333, 16438; 16547, 16658; 16761
 , 16821; 16905, 17079; 17174, 17289; 17369, 17516; 17614, 17737; 17818, 17950; 18186, 18303; 1
 8552, 18730; 18799, 18940; 19020, 19154; 19279, 19382; 19461, 19553; 19870, 19972; 20055, 201
 92; 20301, 20507; 20959, 21689
 37787 783, 20995 635, 848; 4687, 4780; 5871, 5982; 6058, 6221; 6445, 657
 2; 6922, 7032; 7313, 7531; 7862, 8229; 8428, 8587; 9617, 9745; 9853, 10020; 10108, 10204; 10572
 , 10745; 10848, 10950; 11022, 11136; 11231, 11421; 11577, 11727; 11799, 12003; 12185, 12349; 1
 2452, 12632; 12749, 12961; 13052, 13248; 13327, 13509; 13826, 14010; 14113, 14233; 14519, 147
 55; 14885, 15091; 15360, 15462; 15605, 15921; 15998, 16211; 16333, 16438; 16547, 16658; 16761
 , 16821; 16905, 17079; 17174, 17289; 17369, 17516; 17614, 17737; 17818, 17950; 18186, 18303; 1
 8552, 18730; 18799, 18940; 19020, 19154; 19279, 19382; 19461, 19553; 19870, 19972; 20055, 201
 92; 20301, 20507; 20959, 21689
 37788 102, 16754 1, 222; 6445, 6491; 8918, 8999; 14907, 15049; 16709, 19
 472
 37789 149, 4088 1, 162; 2506, 6192
 37789 2519, 4088 1, 162; 2506, 6192
 37789 2519, 4088 19, 986, 192
 37790 52, 5264 1, 104; 2642, 2731; 4377, 4551; 5228, 5455
 37790 52, 4714 13, 104; 2642, 2731; 4377, 4713
 37790 52, 5264 2, 104; 2642, 2731; 4377, 4551; 5228, 5455
 37791 23, 4209 1, 38; 2244, 2316; 2626, 2691; 2869, 2970; 3173, 3258; 343
 4, 3493; 3819, 3941; 4123, 4699
 37791 23, 4209 2, 38; 2244, 2316; 2626, 2691; 2869, 2970; 3173, 3258; 343
 4, 3493; 3819, 3941; 4123, 4699
 37792 2, 82042 1, 46; 2164, 2284; 3053, 3146; 23673, 23730; 40009, 40100
 ; 44082, 44181; 46643, 46720; 55544, 55630; 58247, 58306; 58836, 58916; 63716, 63817; 65913, 6
 5984; 67898, 67947; 70975, 70999; 71730, 71849; 73287, 73461; 74239, 74338; 75495, 75620; 818
 85, 84732
 37793 63286, 109021 1, 127; 63231, 63454; 67912, 68001; 71417, 71491; 7

1964, 72058; 74494, 74827; 75807, 75917; 77324, 77427; 78490, 78556; 80222, 80339; 82314, 82452; 85187, 85245; 85388, 85572; 86162, 86461; 90946, 91053; 94470, 94576; 95663, 95747; 98325, 98431; 98618, 98706; 103796, 103964; 104159, 104266; 105861, 105921; 107061, 107192; 108286, 108456; 108797, 111849

37793 63286, 109021 1, 127; 63231, 63454; 67912, 68001; 71417, 71491; 7

1964, 72058; 74494, 74827; 75807, 75917; 77324, 77427; 78490, 78556; 80222, 80339; 82314, 82452; 85187, 85245; 85388, 85572; 86162, 86461; 90946, 91053; 94470, 94576; 95663, 95747; 98325, 98431; 98618, 98706; 103796, 103964; 104159, 104266; 105861, 105921; 107064, 107192; 108286, 108456; 108797, 111849

37793 63286, 109021 2, 127; 63231, 63454; 67912, 68001; 71417, 71491; 7

1964, 72058; 74494, 74827; 75807, 75917; 77324, 77427; 78490, 78556; 80222, 80339; 82314, 82452; 85187, 85245; 85388, 85572; 86162, 86461; 90946, 91053; 93405, 93431; 94470, 94576; 95663, 95747; 98325, 98431; 98618, 98706; 103796, 103964; 104159, 104266; 105861, 105921; 107061, 107192; 108286, 108456; 108797, 111856

37794 215, 45028 1, 281; 9333, 9397; 18610, 18748; 20707, 20805; 29884, 30044; 35025, 35239; 36023, 36158; 40939, 41067; 43279, 43408; 44843, 46006

37794 215, 45028 15, 281; 9333, 9397; 18610, 18748; 20707, 20805; 29884, 30044; 35025, 35239; 36023, 36158; 40939, 41067; 43279, 43408; 44843, 46001

37795 165, 5615 1, 248; 2019, 2892; 3342, 3475; 3811, 3862; 3957, 4089; 4301, 4492; 5506, 6369

37795 165, 4324 166, 248; 2019, 2517; 2582, 2593; 2598, 2667; 4055, 4089; 4301, 4324

37795 165, 3822 166, 248; 2019, 2892; 3811, 3822

37795 165, 5615 54, 248; 2019, 2892; 3342, 3475; 3811, 3862; 3957, 4089; 5506, 6369

37796 60, 83910 11, 365; 28363, 28422; 30471, 30544; 42483, 42585; 43421, 43585; 46950, 47023; 50420, 50469; 52071, 52201; 55794, 55938; 57073, 57228; 61606, 61712; 70351, 70453; 70792, 70960; 72863, 73053; 74831, 75020; 79983, 80099; 80994, 81102; 83174, 83280; 83568, 83691; 83895, 88382

37796 60, 83692 1, 365; 28363, 28422; 30471, 30544; 42483, 42585; 43421, 43585; 46950, 47023; 50420, 50469; 52071, 52201; 55794, 55938; 57073, 57228; 61606, 61712; 70351, 70453; 70792, 70960; 72863, 73053; 74831, 75020; 79983, 80099; 80994, 81102; 83174, 83280; 83568, 83691; 83895, 84151

37797 24, 80257 1, 235; 70927, 70992; 71733, 71846; 75317, 75469; 75868, 76070; 77022, 77121; 79623, 79752; 79840, 79894; 80222, 82829

37797 24, 80257 1, 235; 70927, 70992; 71733, 71846; 75317, 75469; 75868, 76070; 77022, 77121; 79623, 79752; 79840, 79894; 80222, 82832

37798 3489, 7515 1, 87; 3456, 3700; 6521, 7122; 7282, 8687

37798 3489, 7515 44, 87; 924, 1068; 3456, 3700; 6521, 7122; 7282, 8687

37799 3, 58817 1, 273; 1961, 2263; 8338, 8676; 9871, 10206; 15478, 16845; 18913, 19029; 19644, 19763; 24100, 24203; 27153, 27211; 27456, 27616; 31645, 31779; 38482, 38524; 38644, 38681; 51522, 51609; 55563, 55737; 58667, 61991

37800 93, 5501 1, 203; 2375, 2861; 4683, 4823; 5343, 5950

37801 93, 5501 1, 203; 2375, 2861; 4683, 4823; 5343, 5950

37802 40, 77250 14, 96; 2768, 2961; 4867, 5073; 10094, 10265; 11398, 11530; 11772, 11872; 13128, 13241; 19968, 20072; 23100, 23189; 23303, 23467; 24332, 24460; 25496, 25678; 30689, 30802; 31086, 31196; 32499, 32591; 36599, 36784; 37904, 37998; 40787, 40844; 40953, 41078; 42673, 42812; 42959, 43133; 43720, 43833; 44889, 45017; 50290, 50484; 51174, 51309; 53609, 53697; 56016, 56141; 57642, 57791; 58093, 58296; 58510, 58645; 59079, 59272; 60488, 60660; 61830, 62003; 62229, 62349; 67775, 67962; 68562, 68637; 69738, 69926; 70017, 70154; 7

0661,70744;70839,70998;76695,76846;77007,77729

37802 40,77250 1,96;2768,2961;4867,5073;10094,10265;11398,11530;11772,11872;13128,13241;19968,20072;23100,23189;23303,23467;24332,24460;25496,25678;30689,30802;31086,31196;32499,32591;36599,36784;37904,37998;40787,40844;40953,41078;42673,42812;42959,43133;43720,43833;44889,45017;50290,50484;51174,51309;53609,53697;56016,56141;57642,57791;58093,58296;58510,58645;59079,59272;60488,60660;61830,62003;62229,62349;66205,66384;67775,67962;68562,68637;69738,69926;70017,70154;70661,70744;70839,70998;76695,76846;77007,77736

37802 40,77250 1,96;2768,2961;4867,5073;10094,10265;11398,11530;11772,11872;13128,13241;19968,20072;23100,23189;23303,23467;24332,24460;25496,25678;30689,30802;31086,31196;32499,32591;36599,36784;37904,37998;40787,40844;40953,41078;42673,42812;42959,43133;43720,43833;44889,45017;50290,50484;51174,51309;53609,53697;56016,56141;57642,57791;58093,58296;58510,58645;59079,59272;60488,60660;61830,62003;62229,62349;67775,67962;68562,68637;69738,69926;70017,70154;70661,70744;70839,70998;76695,76846;77007,77736

37803 67,22729 1,350;2995,3037;4678,4735;7217,7294;9111,9211;16412,16468;17649,17706;22151,23729

37803 11,22717 1,44;47,350;2995,3037;4678,4735;7217,7294;9111,9211;16412,16468;17649,17706;22151,23729

37804 37796,132770 1,82;37786,37940;40683,40805;52715,54706;100774,100967;101826,101925;109854,110001;111160,111177;111635,111834;113523,113653;114870,114974;120967,121095;123288,123620;124054,124233;125711,125909;129559,130109;132584,134342

37804 37796,132770 37796,37940;40683,40805;52715,54706;100774,100967;101826,101925;109854,110001;111160,111177;111635,111834;113523,113653;114870,114974;120967,121095;123288,123620;124054,124233;125711,125909;129559,130109;132584,132769

37804 53233,132770 37796,37940;40683,40805;52715,54706;100774,100967;101826,101925;109854,110001;111614,111834;113523,113653;114870,114974;120967,121095;123288,123620;124054,124233;125711,125909;129559,130109;132584,132769

37805 35656,139399 1,302;35621,35720;51734,51948;79313,79405;83741,83854;96472,96603;107116,107208;111958,112072;114466,114527;115640,115715;117106,117209;119048,119115;120676,120733;121733,121774;125913,126051;127660,127801;128479,128607;134568,134718;134981,135092;135328,135416;135713,135835;137021,137146;137837,138025;139205,139932

37806 176,313952 1,229;240944,241018;242851,243069;244088,244231;244608,244745;245826,245943;246398,246567;252934,253076;259861,259890;270210,270360;270735,270919;271283,271379;271712,271882;273598,273729;294439,294566;298711,298888;308753,308960;310325,310441;313832,315163

37806 176,313952 1,229;240944,241018;242851,243069;244088,244231;244608,244745;245826,245943;246398,246567;252934,253076;270210,270360;270735,270919;271283,271379;271712,271882;273598,273729;294439,294566;298711,298888;308753,308960;310325,310441;313832,314054

37806 240939,313952 240940,241017;241019,241022;242857,243069;244088,244231;244608,244745;245826,245943;246398,246567;252934,253076;259861,259890;270210,270360;270735,270919;271283,271379;271712,271882;273598,273729;294442,294566;298711,298888;308753,308960;310325,310441;313832,316414

37806 240939,301490 240940,241017;241019,241022;242857,243069;244088,244231;244608,244745;245826,245943;246398,246567;252934,253076;270210,270360;270735,270919;271283,271379;271712,271882;273598,273729;273954,273968;279351

, 279398; 281370, 281411; 282117, 282180; 282263, 282264; 294502, 294566; 298711, 298888; 301411, 301490

37806 240939, 301490 240940, 241017; 241019, 241022; 242857, 243069; 244088, 244231; 244608, 244745; 245826, 245943; 246398, 246567; 252934, 253076; 270210, 270360; 270735, 270919; 271283, 271379; 271712, 271882; 273598, 273729; 273954, 273968; 279351, 279398; 281370, 281411; 294442, 294566; 298711, 298888; 301411, 301490

37806 240939, 313952 240940, 241017; 241019, 241022; 242857, 243069; 244088, 244231; 244608, 244745; 245826, 245943; 246398, 246567; 252934, 253076; 270210, 270360; 270735, 270919; 271283, 271379; 271712, 271882; 273598, 273729; 294442, 294566; 298711, 298888; 308753, 308960; 310325, 310441; 313832, 315298

37807 192293, 221026 1, 194; 134144, 134662; 169106, 169369; 180897, 181006; 183533, 183619; 192243, 192576; 196537, 196622; 202186, 202304; 207016, 207217; 208496, 208622; 216422, 216529; 216619, 216702; 220998, 221209

37807 1, 221026 1, 194; 134144, 134662; 169106, 169369; 180897, 181006; 183533, 183619; 192243, 192576; 196537, 196622; 202186, 202304; 207016, 207217; 208496, 208622; 216619, 216702; 220998, 221209

37807 134250, 221026 1, 194; 134144, 134662; 180897, 181006; 183533, 183619; 192243, 192576; 196537, 196622; 202186, 202304; 207016, 207217; 208496, 208622; 216619, 216702; 220998, 221209

37807 192293, 221026 186915, 186979; 192243, 192576; 196537, 196622; 202186, 202304; 207016, 207217; 208496, 208622; 216422, 216529; 216619, 216702; 220998, 221209

37807 207044, 216636 207044, 207107; 207113, 207217; 208496, 208622; 216422, 216702; 220998, 221210

37808 33072, 356004 1, 40; 32938, 33869; 46291, 46457; 66054, 66207; 74046, 74291; 228466, 228568; 229197, 229304; 241047, 241090; 252656, 252716; 278447, 278509; 278831, 278905; 333983, 334099; 353983, 354069; 355864, 356008; 359971, 360447

37808 46363, 356004 46364, 46457; 66054, 66207; 74046, 74291; 197275, 197464; 201714, 201820; 228466, 228568; 229197, 229304; 241047, 241090; 252656, 252716; 278447, 278509; 278831, 278905; 333983, 334099; 353983, 354069; 355864, 356008; 359971, 360446

37809 31181, 70451 1, 134; 20304, 20374; 20537, 20576; 31138, 31252; 34630, 34721; 43435, 43505; 48627, 48718; 56137, 56245; 70157, 70259; 70396, 73702

37809 58, 70451 41, 134; 20304, 20374; 20537, 20576; 31138, 31252; 34630, 34721; 43435, 43505; 48627, 48718; 56137, 56245; 67937, 68041; 70157, 70259; 70396, 73708

37810 117, 2391 1, 283; 1958, 3925

37810 117, 2391 40, 283; 1600, 1821; 1958, 3925

37811 377, 1497 1, 405; 992, 1057; 1406, 1636

37811 377, 1347 332, 405; 992, 1638

37812 162631, 263789 143305, 143324; 147798, 147914; 155426, 155572; 159385, 159441; 162593, 162655; 162658, 162732; 170669, 170792; 170993, 171136; 172493, 172657; 173269, 173307; 173479, 173617; 176194, 176336; 178419, 178528; 182166, 182324; 190069, 190146; 193290, 193376; 202567, 202620; 206490, 206585; 208091, 208144; 208502, 208555; 224699, 224752; 225222, 225293; 233883, 233918; 234938, 235004; 237933, 238121; 259729, 259806; 261888, 262043; 263710, 264585

37812 89473, 159461 1, 72; 40364, 40488; 50688, 50804; 54984, 55127; 60719, 60805; 89349, 89504; 90369, 90488; 91960, 92124; 96267, 96428; 99501, 99652; 100790, 100919; 102314, 102459; 105006, 105135; 108909, 109048; 117646, 117772; 119185, 119324; 119778, 119910; 121268, 121327; 124025, 124176; 136437, 136566; 140171, 140293; 143175, 143324; 147798, 147914; 155426, 155572; 159385, 159461

37812 40400, 263789 17671, 17898; 40364, 40488; 50688, 50804; 54984, 5

5127;60719,60805;89349,89504;90369,90488;91960,92124;96267,96428;99501,99652;100
790,100919;102314,102459;105006,105135;108909,109048;117646,117772;119185,119324
;119778,119910;121268,121327;124025,124176;136437,136566;140171,140293;143175,14
3324;147798,147914;155426,155572;159385,159441;162593,162732;170669,170792;17099
3,171136;172493,172657;173269,173307;173479,173617;176194,176336;178419,178528;1
82166,182324;190069,190146;193290,193376;202567,202620;206490,206585;208091,2081
44;208502,208555;224699,224752;225222,225293;233883,233918;234938,235004;237933,
238121;259729,259806;261888,262043;263710,264590
37813 1,64526 1,279;11404,11502;31564,31677;34689,34793;35422,
35544;38928,39051;41209,41317;44126,44190;45865,45989;46483,46657;47812,47925;51
900,52027;54287,54596;55326,55439;64305,68536
37813 31651,64526 26959,27077;31564,31677;34689,34793;35422,35
544;38928,39051;41209,41317;44126,44190;45865,45989;46483,46657;47812,47925;5190
0,52027;54287,54596;64305,67474
37813 31651,64526 26980,27077;31564,31677;34689,34793;35422,35
544;38928,39051;41209,41317;44126,44190;45865,45989;46483,46657;47812,47925;5190
0,52027;54287,54596;64305,68536
37814 25350,71500 11,268;25338,25599;28320,28550;32890,32968;3
3476,33705;40292,40372;40956,41057;43788,43961;44106,44205;46326,46375;46463,465
30;48189,48297;50158,50319;71429,71501;71975,72288
37814 25338,55792 1,268;25338,25599;28320,28550;32890,32968;33
476,33701;40285,40372;40956,41057;43788,43961;44106,44205;46326,46375;46463,4653
0;48189,48297;50158,50319;55760,55810;56412,56998
37814 25338,71500 15,268;25338,25599;28320,28550;32890,32968;3
3476,33701;40285,40372;40956,41057;43788,43961;44106,44205;46326,46375;46463,465
30;48189,48297;50158,50319;57855,57986;71432,71505;72848,72964;81831,82145
37814 25350,71500 15,268;25338,25599;28320,28550;32890,32968;3
3476,33705;40292,40372;40956,41057;43788,43961;44106,44205;46326,46375;46463,465
30;48189,48297;50158,50319;57855,57985;63133,63199;71429,71500
37814 25338,55792 25339,25599;28320,28550;32890,32968;33476,33
705;40292,40372;40956,41057;43788,43961;44106,44205;46326,46375;46463,46530;4818
9,48297;50158,50319;55760,55792
37814 25350,64392 25351,25599;28320,28550;32890,32968;33476,33
705;40292,40372;40956,41057;43788,43961;44106,44205;46326,46375;46463,46530;4818
9,48297;50158,50304;63140,63199;64327,64392
37814 25350,64392 25351,25599;28320,28550;32890,32968;33476,33
705;40292,40372;40956,41057;43788,43961;44106,44205;46326,46375;46463,46530;4818
9,48297;50158,50319;57855,57985;63133,63199;64327,64611
37815 843,3469 1,60;821,886;1979,2171;2752,3611
37816 124,40658 1,171;18619,18694;22406,22512;25010,25097;3663
5,36708;37970,38071;38553,38672;39653,39750;40480,43041
37816 39705,41044 1,171;22406,22512;25010,25097;36635,36708;37
970,38071;38553,38672;39653,39750;40480,40958;40963,41043
37817 253,44270 1,350;12296,12763;18000,18173;22986,23063;2579
2,25952;26222,26394;27200,27302;30779,30905;33550,33659;37967,38079;39358,39476;
43779,43834;44208,44872
37817 297,76271 298,350;12296,12398;12403,12763;18000,18173;22
986,23063;25792,25952;26222,26394;27200,27302;30779,30905;33550,33659;37967,3807
9;39358,39476;43779,43834;44904,45110;48303,48423;49076,49234;54936,55109;56504,
56614;59890,60065;66201,66338;69246,69350;72175,72267;74744,74847;76157,78986

37818 90,18644 1,158;2702,2745;11098,11163;13832,13898;17782,1
 8133;18486,21749
 37818 90,18644 1,158;2702,2745;11098,11163;13832,13898;17782,1
 8133;18486,21758
 37819 1,241558 1,819;16238,16324;22461,22568;220527,220774;223
 913,224000;233806,233904;235044,235106;236853,236954;239137,239253;239992,242421
 37819 223974,241389 223957,224000;233806,233904;235044,235106;
 236853,236954;239137,239253;239992,240273;241059,241062;241117,241388
 37819 97,216827 82,819;16238,16324;22461,22568;216662,216864
 37820 135,46788 135,5789;35738,35831;45544,45593;46704,46831;5
 4082,55427
 37820 135,46788 1,5789;35738,35831;45544,45593;46704,46831;540
 82,55427
 37820 135,54100 1,5789;35738,35831;45544,45593;54082,55427
 37821 97,22260 1,194;881,1010;2516,2716;4773,4932;5191,5319;54
 02,5422;5746,5766;5857,5901;7331,7384;7855,7899;7999,8025;8505,8531;8625,8669;90
 20,9073;9226,9288;10257,10319;10410,10464;10610,10645;10995,11057;12414,12476;15
 668,15730;15947,16009;16368,16418;16645,16680;17144,17206;17400,17465;17904,1793
 9;18578,18614;19006,19014;19500,19633;20208,20317;20465,20648;20774,20957;21367,
 21396;21638,22330;22385,23295
 37821 97,22260 1,194;881,1010;2516,2716;4773,4932;5191,5319;54
 02,5422;5746,5766;5857,5901;7331,7384;7855,7899;7999,8025;8505,8531;8625,8669;90
 20,9073;9226,9288;10257,10319;10411,10464;10610,10645;10995,11057;12414,12476;15
 668,15730;15947,16009;16368,16418;16645,16680;17144,17206;17400,17465;17904,1793
 9;18578,18614;19006,19014;19500,19633;20208,20317;20465,20648;20774,20957;21367,
 21396;21638,22323;22378,23295
 37822 273,134124 1,402;54704,54814;69856,69974;76475,76703;771
 15,77376;79217,79424;85392,85598;86514,86684;87251,87401;94211,94425;96613,96730
 ;98506,98791;99092,99221;116890,116988;117164,117232;122130,122370;127953,128018
 ;128791,128877;131930,132004;132099,132202;133401,133553;133848,135535
 37822 198,134124 198,402;54704,54814;69856,69974;76475,76703;7
 7115,77376;79217,79424;85392,85598;86514,86684;87251,87401;94211,94425;96613,967
 30;98506,98791;99092,99221;116890,116988;117164,117232;122130,122370;127953,1280
 18;128791,128877;131930,132004;132099,132202;133401,135533
 37823 4612,5943 1,293;1006,1053;4349,4481;4583,4864;5719,6289
 37824 200250,398381 1,67;71330,71485;113722,113833;148799,1488
 96;181168,181236;200074,200889;269402,269607;279333,279395;279773,279858;279956,
 280016;321061,321207;323981,324108;383895,384009;387253,387340;388502,388585;390
 713,390828;392422,392601;398213,400250
 37824 321094,398381 1,67;71330,71485;113722,113833;148799,1488
 96;181168,181236;200074,200889;269402,269607;279773,279858;279956,280016;321061,
 321207;323981,324108;383895,384009;387253,387340;388502,388585;390713,390828;392
 422,392601;398213,400250
 37824 181218,398381 1,67;71330,71485;113722,113833;148799,1488
 96;181168,181236;200074,200889;269402,269607;279773,279858;279956,280016;321061,
 321207;323981,324108;383895,384009;387253,387340;388505,388585;390713,390828;392
 422,392601;398213,400250
 37825 240,58397 1,303;6804,6864;8329,8384;37598,37657;42871,42
 935;43988,44056;44854,44995;46296,46395;58300,59253
 37825 240,58397 6,303;6804,6864;8329,8384;37598,37657;42871,42

935;43988,44056;44854,44995;46296,46395;58300,59247
 37826 10666,11755 1,125;10641,12549
 37827 22468,153908 1,108;22467,22549;62116,62187;63547,63616;6
 4477,64520;65579,65674;77513,77680;93645,93740;95006,95098;101359,101469;106344,
 106480;114558,114710;115688,115753;118052,118118;119820,119917;121454,121535;127
 478,127569;137928,138017;141994,142163;143385,143523;147473,147584;149384,149491
 ;153735,155009
 37827 22471,153908 1,108;22467,22549;62116,62187;63547,63616;6
 4477,64520;65579,65674;77513,77680;93645,93740;95006,95098;101359,101469;106344,
 106480;114558,114710;118052,118118;119820,119917;121454,121535;127478,127569;137
 928,138017;141994,142163;143385,143523;147473,147584;149384,149491;153735,155009
 37827 22468,153908 20386,20633;22467,22549;62116,62187;63547,6
 3616;64477,64520;65579,65674;77513,77680;93645,93740;95006,95098;101359,101469;1
 06344,106480;114558,114710;118052,118118;119820,119917;121454,121535;127478,1275
 69;137928,138017;141994,142163;143385,143523;147473,147584;149384,149491;153735,
 155003
 37827 22468,153908 20386,20633;22467,22549;62116,62187;63547,6
 3616;64477,64520;65579,65674;77513,77680;93645,93740;95006,95098;101359,101469;1
 06344,106480;114558,114710;118052,118118;119820,119917;121454,121535;127478,1275
 69;137928,138017;141994,142163;143385,143523;147473,147584;149384,149491;153735,
 155007
 37827 22468,153908 22466,22549;62116,62187;63547,63616;64477,6
 4520;77513,77680;93645,93740;95006,95098;101359,101469;106344,106480;114558,1147
 10;118052,118118;119820,119917;121454,121535;127478,127569;137928,138017;141994,
 142163;143385,143523;147473,147584;149384,149491;153735,154828
 37828 1,3631 13,630
 37829 1384,1972 10,823,212
 37829 153,8497 1,323;498,646;8340,8597
 37830 55,15865 1,163;1595,1864;4414,4695;5205,5315;15854,15864
 37831 14035,33828 1,451;13986,14851;28840,29033;30826,31096;33
 628,35417
 37832 14035,33828 1,451;13986,14851;28840,29033;30826,31096;33
 628,35417
 37833 206538,240533 14,52;172188,172307;206102,208762;225349,2
 25546;226456,226564;227676,227915;230046,230133;233583,233802;236090,236232;2375
 03,237703;239789,239887;240471,241400
 37833 172270,225587 1,52;172187,172307;206102,208762;225349,22
 9406
 37833 206538,240533 172188,172307;206102,208762;225349,225546;
 226456,226564;227676,227915;230046,230133;233583,233802;236090,236232;237503,237
 703;239789,239887;240471,241401
 37833 206538,240533 202194,202545;206102,208762;225349,225546;
 226456,226564;227676,227915;230046,230133;233583,233802;236090,236232;237503,237
 703;239789,239887;240471,241401
 37834 35,1349 1,418;947,1563
 37834 35,1349 1,418;947,1565
 37835 38,2855 1,153;1336,1459;1571,1655;1730,1862;2160,2245;25
 21,2608;2737,3300
 37835 38,2855 14,153;1336,1459;1571,1655;1730,1862;2160,2245;2
 521,2608;2737,3300

37836 110,10000 1,413;4039,4175;9139,9201;9940,11685
 37837 25850,216530 1,129;25770,27037;33310,33492;101309,101443
 ;140525,140625;144803,144926;146889,147042;147647,147743;150872,150986;159192,15
 9392;161264,161360;164322,164512;182935,183086;189234,189351;191309,191445;19234
 9,192516;192670,192763;197655,197894;198562,198705;199030,199264;200569,200711;2
 01406,201674;203714,203780;204005,204151;204788,204947;205298,205401;209180,2092
 79;210263,210453;212013,212182;214730,214942;215613,215763;216434,216898
 37837 3,216530 1,129;25770,27037;33310,33492;101309,101443;140
 525,140625;144803,144926;146889,147042;147647,147743;150872,150986;159192,159392
 ;161264,161360;164322,164512;182935,183086;189234,189351;191309,191445;192349,19
 2516;192670,192763;197655,197894;198562,198705;199030,199264;200569,200711;20140
 6,201674;203714,203780;204005,204151;204788,204947;205298,205401;209180,209279;2
 10263,210453;212013,212182;214730,214942;215613,215763;216434,216898
 37838 101,2688 1,242;707,860;2348,2436;2566,2691;2988,3075
 37838 101,2688 1,242;707,860;2348,2436;2566,3075
 37839 103,42737 1,205;21927,22155;29808,29992;31981,32059;3302
 4,33181;34317,34466;34604,34662;34843,34911;38278,38377;39353,39479;42256,42520;
 42701,43411
 37839 103,42737 1,205;21927,22155;29808,29992;31981,32059;3302
 4,33181;34317,34466;34604,34662;34843,34911;38278,38377;39353,39479;42256,42527;
 42702,43411
 37840 16,17957 11,96;7888,7990;8067,8132;8437,8545;11580,11653
 ;14311,14364;14866,14919;15921,16018;17300,17413;17777,18127
 37840 16,17957 1,96;7888,7990;8067,8132;8437,8545;11580,11653;
 14311,14364;14866,14919;15921,16018;17300,17413;17777,18133
 37841 16,17957 11,96;7888,7990;8067,8132;8437,8545;11580,11653
 ;14311,14364;14866,14919;15921,16018;17300,17413;17777,18127
 37841 16,17957 1,96;7888,7990;8067,8132;8437,8545;11580,11653;
 14311,14364;14866,14919;15921,16018;17300,17413;17777,18133
 37842 56323,71256 1,46;56304,58409;64934,65575;65826,66011;661
 82,66322;67788,67864;68071,68245;68336,68441;69100,69146;69903,70725;70834,70971
 ;71055,71766
 37842 56395,71256 1,46;56304,58409;64934,65575;65826,66011;661
 82,66322;67788,67864;68071,68245;68336,68441;69100,69146;69903,70725;70834,70971
 ;71055,71766
 37843 17,32643 1,321;14845,14970;28067,28174;32576,33722
 37844 17,32643 1,321;14845,14970;28067,28174;32576,33722
 37845 174,9539 1,201;541,790;3221,3469;6908,7093;8935,14012
 37845 174,9539 1,201;541,790;3221,3469;6908,7093;8935,14013
 37846 2,4131 1,83;271,361;2981,3072;3589,3765;3997,4876
 37847 131,54243 1,253;914,1020;25924,26050;30707,30805;37886,3
 8025;39223,39301;41142,41216;43962,44068;45500,45648;54235,55109
 37847 59,54243 1,253;914,1020;25924,26050;30707,30805;37886,38
 025;39223,39301;41142,41216;43962,44068;45500,45648;54235,55109
 37847 54918,55419 46425,50080;51802,56780
 37848 44,501230 1,217;3289,3320;193394,193476;338548,338659;34
 2576,342704;384304,384460;385495,385629;386144,386240;429881,430018;432682,43285
 5;435957,436048;438852,438914;439815,439953;471180,471260;484060,484167;486032,4
 86172;501066,507937
 37849 23213,67496 1,364;23213,23268;26925,27049;37386,37496;41

342, 41437; 44320, 44427; 50000, 50143; 52227, 52400; 61520, 61612; 61761, 61886; 65664, 65747; 67401, 68629

37849 320, 67496 1, 364; 23213, 23268; 26925, 27049; 37386, 37496; 4134
2, 41437; 44320, 44427; 50000, 50143; 52227, 52400; 61520, 61612; 61761, 61886; 65664, 65747;
67401, 68631

37850 90645, 396450 1, 323; 90645, 90710; 232109, 232165; 249089, 2492
14; 265695, 265805; 269543, 269633; 271498, 271628; 282950, 283004; 285000, 285078; 293060,
293235; 298994, 299060; 302666, 302870; 319821, 319931; 320774, 320860; 321951, 322139; 331
452, 331616; 334179, 334418; 336628, 336734; 349453, 349616; 352168, 352287; 358642, 358643
; 358697, 358881; 366362, 366491; 372824, 372988; 375101, 375212; 376005, 376175; 377936, 37
8079; 380678, 380812; 389007, 389107; 391333, 391482; 393595, 393754; 394004, 394143; 39636
6, 397827

37850 267, 396450 267, 323; 90645, 90710; 232109, 232165; 249089, 2492
14; 265695, 265805; 269543, 269633; 271498, 271628; 282950, 283004; 285000, 285078; 293060,
293235; 298994, 299060; 302666, 302870; 319821, 319931; 320774, 320860; 321951, 322139; 331
452, 331616; 334179, 334418; 336628, 336734; 349453, 349616; 352168, 352265; 353124, 353147
; 358697, 358881; 366362, 366491; 372824, 372988; 375101, 375212; 376005, 376175; 377936, 37
8079; 380678, 380812; 389007, 389107; 391333, 391482; 393595, 393754; 394004, 394143; 39636
6, 396449

37850 90645, 396450 267, 323; 90645, 90710; 232109, 232165; 249089, 24
9214; 265695, 265805; 269543, 269633; 271498, 271628; 282950, 283004; 285000, 285078; 29306
0, 293235; 298994, 299060; 302666, 302870; 319821, 319931; 320774, 320860; 321951, 322139; 3
31452, 331616; 334179, 334418; 336628, 336734; 349453, 349616; 352168, 352265; 358697, 3588
81; 366362, 366491; 372824, 372988; 375101, 375212; 376005, 376175; 377936, 378079; 380678,
380812; 389007, 389107; 391333, 391482; 393595, 393754; 394004, 394143; 396366, 396449

37850 90645, 396450 267, 323; 90645, 90710; 232109, 232165; 249089, 24
9214; 265695, 265805; 269543, 269633; 271498, 271628; 282950, 283004; 285000, 285078; 29306
0, 293235; 298994, 299060; 302666, 302870; 319821, 319931; 320774, 320860; 321951, 322139; 3
34179, 334418; 336628, 336734; 349453, 349616; 352168, 352287; 358642, 358643; 358697, 3588
81; 366362, 366491; 372824, 372988; 375101, 375212; 376005, 376175; 377936, 378079; 380678,
380812; 389007, 389107; 391333, 391482; 393595, 393754; 394004, 394143; 396366, 396449

37850 90645, 396450 267, 323; 90645, 90710; 232109, 232165; 249089, 24
9214; 265695, 265805; 269543, 269633; 271498, 271628; 282950, 283004; 285000, 285078; 29306
0, 293235; 298994, 299060; 302666, 302870; 319821, 319931; 321951, 322139; 331452, 331616; 3
34179, 334418; 336628, 336734; 349453, 349616; 352168, 352287; 358642, 358643; 358697, 3588
81; 366362, 366491; 372824, 372988; 375101, 375212; 376005, 376175; 377936, 378079; 380678,
380812; 389007, 389107; 391333, 391482; 393595, 393754; 394004, 394143; 396366, 396449

37851 202, 256455 1, 283; 99823, 99882; 119141, 119230; 123959, 124003
; 128706, 128750; 128836, 128898; 131490, 131543; 131888, 131914; 133651, 133731; 135987, 13
6049; 138029, 138064; 138155, 138196; 138368, 138460; 140610, 140663; 140759, 140815; 14106
0, 141104; 142961, 143014; 144561, 144602; 146692, 146824; 151135, 151308; 151638, 151721; 1
55586, 155678; 157075, 157145; 157454, 157645; 158779, 158947; 161470, 161562; 161962, 1620
66; 163041, 163138; 166819, 166969; 174988, 175101; 180336, 180503; 181880, 181969; 182753,
182902; 184313, 184411; 185782, 185871; 186287, 186426; 215408, 215534; 225584, 225664; 226
573, 226671; 227210, 227260; 228396, 228581; 237568, 237710; 240756, 240828; 240962, 241033
; 241837, 241965; 246108, 246206; 247559, 247771; 252825, 253002; 254884, 254998; 255344, 25
5516; 256374, 257622

37851 202, 256455 1, 283; 99823, 99882; 119141, 119230; 123959, 124003
; 128706, 128750; 128836, 128898; 131490, 131543; 131888, 131914; 133651, 133731; 135987, 13
6049; 138029, 138064; 138155, 138196; 138368, 138460; 140610, 140663; 140759, 140815; 14106

0, 141104; 142961, 143014; 144561, 144602; 146692, 146824; 151135, 151308; 151638, 151721; 155586, 155678; 157075, 157145; 157454, 157645; 158779, 158947; 161470, 161562; 161962, 162066; 163041, 163138; 166819, 166969; 174988, 175101; 180336, 180503; 181880, 181969; 182753, 182902; 184313, 184411; 185782, 185871; 186287, 186426; 215408, 215534; 225584, 225664; 226573, 226671; 227210, 227260; 228396, 228581; 237577, 237710; 240756, 240828; 240962, 241033; 241837, 241965; 246108, 246206; 247559, 247771; 252825, 253002; 254884, 254998; 255344, 255516; 256374, 257622

37851 202, 256455 1, 283; 99823, 99882; 119141, 119230; 123959, 124003; 128706, 128750; 128836, 128898; 131490, 131543; 131888, 131914; 133651, 133731; 135987, 136049; 138029, 138064; 138155, 138196; 138368, 138460; 140610, 140663; 140759, 140815; 141060, 141104; 142961, 143014; 144561, 144602; 146692, 146824; 151135, 151308; 151638, 151721; 155586, 155678; 157075, 157145; 157454, 157645; 158779, 158947; 161470, 161562; 161962, 162066; 163041, 163138; 166819, 166969; 174988, 175101; 180336, 180503; 181880, 181969; 182753, 182902; 184313, 184411; 185782, 185871; 186287, 186426; 215408, 215534; 225584, 225664; 226573, 226671; 227210, 227260; 228396, 228581; 237577, 237710; 240756, 240828; 240962, 241033; 241837, 241965; 246108, 246206; 247559, 247771; 252825, 253002; 254884, 254998; 255344, 255516; 256374, 257622

37851 163090, 256455 1, 283; 99823, 99882; 119141, 119230; 123959, 124003; 128706, 128750; 128836, 128898; 131490, 131543; 131888, 131914; 133651, 133731; 135987, 136049; 138029, 138064; 138155, 138196; 138368, 138460; 140610, 140663; 140759, 140815; 141060, 141104; 142961, 143014; 144561, 144602; 146692, 146824; 151135, 151308; 151638, 151721; 155586, 155678; 157075, 157145; 157454, 157645; 158779, 158947; 161470, 161562; 161962, 162066; 163041, 163138; 166819, 166969; 226600, 226671; 227210, 227260; 228396, 228581; 237577, 237710; 240756, 240828; 240962, 241033; 241837, 241965; 246108, 246206; 247559, 247771; 252825, 253002; 254884, 254998; 255344, 255516; 256374, 257622

37851 158898, 256449 1, 283; 99823, 99882; 119141, 119230; 123959, 124003; 128706, 128750; 128836, 128898; 131490, 131543; 131888, 131914; 133651, 133731; 135987, 136049; 138029, 138064; 138155, 138196; 138368, 138460; 140610, 140663; 140759, 140815; 141060, 141104; 142961, 143014; 144561, 144602; 146692, 146824; 151135, 151308; 151638, 151721; 155586, 155678; 157075, 157145; 157454, 157645; 158779, 158947; 166829, 166969; 180336, 180503; 182753, 182902; 184313, 184411; 185827, 185871; 228432, 228581; 237604, 237710; 240756, 240828; 241864, 241965; 246108, 246206; 247559, 247771; 252825, 253002; 254884, 254998; 255344, 255516; 256374, 257622

37851 146754, 256455 1, 283; 99823, 99882; 119141, 119230; 123959, 124003; 128706, 128750; 128836, 128898; 131490, 131543; 131888, 131914; 133651, 133731; 135987, 136049; 138029, 138064; 138155, 138196; 138368, 138460; 140610, 140663; 140759, 140815; 141060, 141104; 142961, 143014; 144561, 144602; 146692, 146824; 151144, 151308; 157473, 157645; 158797, 158947; 166829, 166969; 182753, 182902; 184313, 184411; 185782, 185871; 186287, 186426; 215408, 215534; 225584, 225664; 226573, 226713; 228396, 228581; 237577, 237768; 241837, 241965; 246108, 246206; 247559, 247771; 252825, 253002; 254884, 254998; 255344, 255516; 256374, 257622

37851 142933, 256455 142762, 143014; 144561, 144602; 146692, 146824; 151135, 151308; 151638, 151721; 155586, 155678; 157075, 157145; 157454, 157645; 158779, 158947; 161470, 161562; 161962, 162066; 163041, 163138; 166819, 166969; 174988, 175101; 180336, 180503; 181880, 181969; 182753, 182902; 184313, 184411; 185782, 185871; 186287, 186426; 215408, 215534; 225584, 225664; 226573, 226713; 228396, 228581; 237577, 237710; 240756, 240828; 240962, 241033; 241837, 241965; 246108, 246206; 247559, 247771; 252825, 253002; 254884, 254998; 255344, 255516; 256374, 256455

37852 1409, 19790 1, 38; 929, 993; 1229, 1592; 1911, 2040; 3553, 3599; 6208, 6284; 6517, 6609; 9694, 9833; 10911, 11008; 12475, 12648; 12850, 12966; 17460, 17646; 1828

3,18406;19685,20625
 37852 1409,19790 460,519;929,993;1229,1592;1911,2040;3553,3599
 ;6208,6284;6517,6609;9694,9833;10911,11008;12475,12648;12850,12966;17460,17646;1
 8283,18406;19685,20625
 37852 1409,19790 531,695;929,993;1229,1592;1911,2040;3553,3599
 ;6208,6284;6517,6609;9694,9833;10911,11008;12475,12648;12850,12966;17460,17646;1
 8283,18406;19685,20625
 37853 123,58562 107,133;34374,34484;37078,37149;39557,39655;42
 354,42455;46101,46288;58449,58594;60098,60155;61275,61384;61938,62967
 37853 39594,62009 1,133;34374,34484;35090,35391;37078,37149;39
 557,39655;42354,42455;42636,42708;45388,45467;46101,46288;46410,46488;58449,5859
 4;60099,60155;61276,61384;61939,62962
 37853 123,62009 1,133;34374,34484;37078,37149;39557,39655;4235
 4,42455;42636,42708;45388,45467;46101,46181;58449,58594;60099,60155;61276,61384;
 61939,62962
 37853 33,62009 1,133;34374,34484;37078,37149;39557,39655;42354
 ,42455;42636,42708;45388,45467;46101,46181;58449,58594;60099,60155;61276,61384;6
 1939,62962
 37853 123,62009 1,133;34374,34484;37078,37149;39557,39655;4235
 4,42455;42636,42708;45388,45467;46101,46288;46410,46488;58449,58594;60099,60155;
 61276,61384;61939,62962
 37853 33,62009 1,133;34374,34484;37078,37149;39557,39655;42354
 ,42455;42636,42708;45388,45467;46101,46288;46410,46488;58449,58594;60099,60155;6
 1276,61384;61939,62962
 37853 39594,62009 81,133;34374,34484;35090,35391;37078,37149;3
 9557,39655;42354,42455;42636,42708;45388,45467;46101,46288;46410,46488;58449,585
 94;60099,60155;61276,61384;61939,62962
 37854 98,13511 1,245;5696,5775;8712,8775;11782,11913;13413,140
 52
 37855 98,13511 1,245;5696,5775;8712,8775;11782,11913;13413,140
 52
 37856 3701,18753 1,146;3693,3873;7848,7985;8569,8700;14021,142
 28;18513,19188
 37856 3701,18753 1,146;3694,3873;7848,7985;14021,14228;18513,1
 9191
 37857 100,15587 1,104;10676,10791;12595,12733;13027,13079;1346
 2,13559;13848,14007;14373,15907
 37857 100,13465 1,104;10676,10791;13027,13079;13462,13559;1384
 8,14007;14373,15902
 37857 1579,15587 1150,1595;10676,10791;12595,12733;13027,13079
 ;13462,13559;13848,14007;14373,15907
 37857 13083,15587 46,104;10675,10791;13026,13559;13848,14007;1
 4373,15907
 37858 165,2624 1,243;989,1534;2442,3740
 37858 165,2624 1,243;989,1534;2442,3746
 37859 1,103081 1,58;31583,31688;62340,62446;71454,71554;72429,
 72563;78611,78728;81272,81364;82679,82775;84616,84667;89456,89581;97036,97171;10
 1864,102003;103042,104093
 37859 54,103081 7,61;31586,31688;62340,62446;71454,71554;72429
 ,72563;78611,78728;81272,81364;82679,82775;84616,84667;89456,89581;97036,97171;1

01864, 102003; 103042, 104093

37860 282, 1130 12, 175

37861 58, 51347 1, 297; 35566, 35778; 41994, 42146; 44047, 44502; 45220, 46263; 46854, 47005; 49339, 49549; 51341, 51541

37861 58, 51347 1, 297; 35566, 35778; 41994, 42146; 44047, 44502; 45220, 46263; 46854, 47005; 49339, 49549; 51341, 53439

37861 58, 49649 1, 297; 35566, 35778; 41994, 42146; 44047, 44502; 45220, 46263; 46854, 47005; 49339, 53438

37861 58, 49649 58, 297; 35566, 35778; 41994, 42146; 44047, 44502; 45220, 46263; 46854, 47005; 49339, 53431

37862 265, 8470 1, 323; 506, 654; 8312, 8569

37863 38, 6054 1, 176; 4313, 4574; 5891, 6679

37864 164, 9099 1, 166; 3096, 3247; 5035, 5146; 6955, 7107; 7627, 7765; 8093, 8208; 8213, 8218; 8915, 9052; 9057, 9098

37864 164, 8926 1, 166; 3096, 3247; 5035, 5146; 6955, 7107; 7627, 7765; 8093, 8218; 8915, 9219

37864 164, 9099 1, 166; 3096, 3247; 5035, 5146; 6955, 7107; 7627, 7765; 8093, 8218; 9061, 9219

37864 3096, 3597 3096, 3247; 3539, 3596

37864 164, 8926 48, 166; 3096, 3247; 5035, 5146; 6955, 7107; 7627, 7765; 8093, 8218; 8915, 8925

37865 1, 36385 1, 17; 6033, 6091; 6238, 6392; 6904, 7013; 11871, 12062; 12241, 12488; 12565, 12667; 13069, 13143; 13240, 13362; 14201, 14365; 15056, 15205; 15320, 15439; 16366, 16497; 16582, 16707; 17368, 17493; 17988, 18230; 18695, 18820; 18909, 19028; 19901, 20032; 20240, 20365; 20752, 20874; 21151, 21282; 23725, 23856; 23936, 24024; 24036, 24060; 26182, 26328; 29236, 29502; 29785, 29856; 30439, 30567; 30771, 30917; 32692, 32844; 33810, 34190; 34540, 34692; 36231, 36652

37865 20777, 26309 16582, 16707; 17368, 17493; 18695, 18820; 18909, 19028; 19901, 20032; 20240, 20365; 20752, 20874; 21151, 21282; 23936, 24024; 24027, 24060; 26182, 26328; 29236, 29502; 29785, 29856; 30439, 30567; 30771, 30917; 32692, 32844; 33810, 34190; 34540, 34692; 36231, 36652

37865 1, 36385 2, 17; 6033, 6091; 6238, 6392; 6904, 7013; 11871, 12062; 12241, 12488; 12565, 12667; 13069, 13143; 13240, 13362; 14201, 14365; 15056, 15205; 15320, 15439; 16366, 16497; 16582, 16707; 17368, 17493; 17988, 18230; 18695, 18818; 18907, 19028; 19901, 20032; 20240, 20365; 20752, 20874; 21151, 21282; 23725, 23856; 23936, 24060; 26182, 26328; 29236, 29502; 29785, 29856; 30439, 30567; 30771, 30917; 32692, 32844; 33810, 34190; 34540, 34692; 36231, 36652

37865 18777, 34568 8228, 8472; 11870, 12062; 12241, 12488; 12565, 12667; 13069, 13143; 13240, 13362; 14201, 14365; 15056, 15205; 15320, 15439; 16366, 16497; 16582, 16707; 17368, 17493; 17988, 18230; 18695, 18820; 18909, 19028; 19901, 20032; 20240, 20365; 20752, 20874; 21151, 21282; 26182, 26328; 29236, 29502; 29785, 29856; 30439, 30567; 30771, 30917; 32692, 32844; 33810, 34190; 34540, 34692; 36231, 36466

37866 18, 28042 1, 140; 6980, 7106; 8585, 8752; 18198, 18362; 20595, 20656; 21002, 21113; 21426, 21538; 22056, 22166; 24475, 24595; 25296, 25343; 27281, 29075

37866 2127, 30141 2003, 2132; 6980, 7106; 8585, 8752; 18198, 18362; 20595, 20656; 21002, 21113; 21426, 21538; 22056, 22166; 24475, 24595; 30136, 30255; 34522, 34818

37866 6857, 28042 6719, 7106; 8585, 8752; 18198, 18362; 20595, 20656; 21002, 21113; 21426, 21538; 22056, 22166; 24475, 24594; 27280, 28873

37866 6857, 28042 6719, 7106; 8585, 8752; 18198, 18362; 20595, 20656; 21002, 21113; 21426, 21538; 22056, 22166; 24475, 24595; 25296, 25343; 27281, 28873

37866 6857, 25352 6719, 7106; 8585, 8752; 18198, 18362; 20595, 20656; 2
 1002, 21113; 21426, 21538; 22056, 22166; 24475, 24595; 25296, 25358; 27281, 28873
 37866 6857, 25352 6719, 7106; 8585, 8752; 18198, 18362; 20595, 20656; 2
 1002, 21113; 21426, 21538; 22056, 22166; 24475, 24595; 25296, 25358; 27281, 28875
 37866 6857, 28042 6719, 7106; 8585, 8752; 18198, 18362; 20595, 20656; 2
 1002, 21113; 21426, 21538; 22056, 22166; 24475, 24595; 27281, 28875
 37866 6857, 25352 6857, 6892; 6980, 7106; 8585, 8752; 18198, 18362; 205
 95, 20656; 21002, 21113; 21426, 21538; 22056, 22166; 24475, 24595; 25296, 25351
 37867 199, 1427 1, 301; 462, 608; 973, 1098; 1275, 1570
 37867 34, 1427 1, 301; 462, 608; 973, 1098; 1275, 1570
 37868 4809, 27219 1, 21; 4770, 5240; 10694, 10813; 13223, 13351; 17907,
 18010; 21514, 21616; 22390, 22558; 24953, 25041; 26515, 26604; 27060, 27597
 37868 4809, 27219 315, 488; 4770, 5240; 10694, 10813; 13223, 13351; 179
 07, 18010; 21514, 21616; 22387, 22558; 24953, 25041; 26515, 26604; 27060, 27771
 37868 4809, 27219 315, 488; 4770, 5240; 10694, 10813; 13223, 13351; 179
 07, 18010; 21514, 21616; 22390, 22558; 24953, 25041; 26515, 26604; 27060, 27787; 27807, 27842
 37868 4809, 20208 4779, 5240; 10694, 10813; 13223, 13351; 17907, 18010
 ; 20150, 20250; 21514, 21616; 22387, 22558; 24953, 24986
 37869 178, 64253 1, 346; 7211, 7359; 8008, 8124; 10527, 10695; 18454, 18
 536; 19505, 19627; 28225, 28423; 34345, 34472; 36051, 36205; 39608, 39724; 42812, 42877; 4691
 0, 47096; 49338, 49478; 55043, 55126; 59825, 59939; 60649, 60792; 64086, 64529
 37869 178, 64253 3, 346; 7211, 7359; 8008, 8124; 10527, 10695; 18454, 18
 536; 19505, 19627; 28225, 28423; 34345, 34472; 36051, 36205; 39608, 39724; 42812, 42877; 4691
 0, 47096; 49338, 49478; 55043, 55126; 59825, 59939; 60649, 60792; 64086, 64529
 37870 0, 282800 1, 25; 269417, 269576; 270636, 270889; 271293, 271429;
 282654, 282800
 37870 157226, 340716 156840, 156902; 157174, 157317; 327797, 327814;
 336374, 336415; 340289, 341209; 341353, 341459; 341751, 341983
 37870 229297, 234807 229298, 229331; 234410, 234950; 235093, 236022;
 236399, 237290
 37870 268346, 271882 268341, 268386; 269417, 269576; 270636, 270889;
 271293, 271429; 271730, 271932
 37870 268346, 313742 268341, 268386; 269417, 269576; 312506, 312759;
 313159, 313295; 313596, 313742
 37870 269385, 282800 269386, 269576; 270636, 270889; 271293, 271429;
 282654, 282800
 37870 269385, 313742 269386, 269576; 292140, 292393; 313159, 313295;
 313596, 313800
 37870 269403, 313739 269404, 269576; 302232, 302485; 313159, 313295;
 313596, 313798
 37870 289852, 313748 289853, 289892; 290922, 291081; 302232, 302485;
 313159, 313295; 313596, 313748
 37870 290902, 313742 290903, 291081; 292140, 292393; 292973, 293005;
 313159, 313295; 313596, 313742
 37870 290929, 313742 290930, 291081; 312506, 312759; 313159, 313295;
 313596, 313742
 37870 310220, 313748 310215, 310260; 311289, 311448; 312506, 312759;
 313159, 313295; 313596, 313800
 37870 49725, 341777 49331, 49379; 49505, 49785; 157296, 157318; 33670
 8, 336751; 340289, 340675; 341192, 341209; 341353, 341459; 341751, 341777

37870 64261,101464 64262,64310;101175,101464
 37870 80511,332390 80511,80560;80661,80942;239987,240008;32613
 6,326176;330943,331329;331771,331788;331941,332047;332370,332390
 37871 34,3330 1,123;3213,3688
 37871 34,3330 34,123;2346,2435;3213,3329
 37872 2,1688 1,49;1277,2105
 37873 115786,436991 115787,115877;427695,428306;436255,436991
 37873 481,436991 1,518;115788,115877;427695,428306;436255,4395
 96
 37874 141,253593 1,212;54045,54125;88238,88313;119599,119675;1
 31046,131137;162351,162379;186755,186799;194293,194424;228206,228319;238094,2382
 11;242218,242555;243778,243827;249491,249610;251619,261381
 37874 181891,253593 181891,181969;186755,186799;194293,194424;
 228206,228319;238094,238211;242218,242555;243778,243827;249491,249610;251619,255
 888
 37874 131046,253593 54110,54125;88238,88313;119599,119675;1310
 46,131137;162351,162379;186755,186799;194293,194424;228206,228319;232855,232938;
 238094,238211;242218,242555;243778,243827;249491,249610;251619,253662
 37875 0,1662 11,662
 37876 14673,23003 1,126;14648,14798;15432,15517;17147,17261;18
 963,19081;19975,20060;20305,20448;20959,21075;22338,22466;22905,23809
 37876 14673,23003 1,126;3664,3751;14648,14798;15432,15517;1714
 7,17261;18963,19081;19975,20060;20305,20448;20959,21075;22338,22466;22905,23809
 37876 14673,23003 1,126;3664,3751;6648,6721;14648,14798;15432,
 15517;17147,17261;18963,19081;19975,20060;20305,20448;20959,21075;22338,22466;22
 905,23809
 37876 14673,23003 1,126;6648,6721;14648,14798;15432,15517;1714
 7,17261;18963,19081;19975,20060;20305,20448;20959,21075;22338,22466;22905,23809
 37876 14673,23003 1,126;6648,6766;14648,14798;15432,15517;1714
 7,17261;18963,19081;19975,20060;20305,20448;20959,21075;22338,22466;22905,23809
 37877 95,255364 1,223;23460,23495;128229,128313;180704,180739;
 185615,185659;186375,186407;186801,187013;188485,188588;203232,203310;204140,204
 193;207928,208011;214242,214342;218282,218411;221166,221321;228314,228385;228900
 ,228986;230956,231090;241006,241143;243422,243540;248953,249066;249295,249409;24
 9889,250015;253867,253943;255356,255394;256336,257152;260324,260684
 37877 19472,255364 19383,19516;23460,23495;128229,128313;18070
 4,180739;185615,185659;186375,186407;186801,187013;188485,188585;203229,203310;2
 04140,204193;207928,208011;214242,214342;218282,218411;221166,221321;228314,2283
 85;228900,228986;230956,231090;241006,241143;243422,243540;248953,249066;249295,
 249409;249889,250015;253867,253943;255356,255394;256337,260682
 37878 95,1151 1,1939;2468,3561
 37879 11,3814 11,83;102,637;1479,1561;1929,2085;2173,2334;2422
 ,2547;2862,3079;3507,3813
 37879 11,4121 1,637;1479,1561;1929,2085;2173,2334;2422,2547;28
 62,3079;3435,3809;4114,4478
 37880 13349,30801 1,46;13323,13464;13852,14450;14677,14697;158
 81,15946;17745,17798;17882,17926;18250,18276;18524,18550;18643,18687;19273,19326
 ;19747,19809;20487,20549;20903,20992;21661,21723;22388,22450;22934,22996;23429,2
 3491;23981,24031;24369,24404;24748,24810;26524,26586;26758,26793;27139,27184;273
 38,27490;27658,28110;28376,28414;30776,31678

37880 13349,31364 1,46;13323,13464;13852,14450;14677,14697;158
81,15946;17745,17798;17882,17926;18250,18276;18524,18550;18643,18687;19273,19326
;19747,19809;20487,20549;20903,20992;21661,21723;22388,22450;22934,22996;23429,2
3491;23981,24031;24369,24404;24748,24810;26524,26586;26758,26793;27139,27184;273
38,27490;27658,28110;28376,28414;31069,31678

37880 13349,34425 1,46;13323,13464;13852,14450;14677,14697;158
81,15946;17745,17798;17882,17926;18250,18276;18524,18550;18643,18687;19273,19326
;19747,19809;20487,20549;20903,20992;21661,21723;22388,22450;22934,22996;23429,2
3491;23981,24031;24369,24404;24748,24810;26524,26586;26758,26793;27139,27184;273
38,27490;27658,28110;28376,28414;33827,34720

37880 13349,30801 6,46;13323,13464;13852,14450;14677,14697;158
81,15946;17745,17798;17882,17926;18250,18276;18524,18550;18643,18687;19273,19326
;19747,19809;20487,20549;20903,20992;21661,21723;22388,22450;22934,22996;23429,2
3491;23981,24031;24369,24404;24748,24810;26524,26586;26758,26793;27139,27184;273
38,27490;27658,28110;28376,28414;30776,30801

37881 2,146456 1,217;43055,43167;47067,47169;48866,48955;50017
,50138;64711,64832;64920,65021;66885,66973;72011,72094;89537,89675;90066,90154;9
4807,94906;100501,100694;105636,105740;106317,106449;110454,110491;114410,114479
;118853,118992;124212,124319;125557,125667;136921,137082;138842,138913;141347,14
1492;141743,141811;143562,143674;146208,146785;147001,147666

37881 17,57688 17,217;43055,43167;47067,47169;48866,48955;5001
7,50138;57558,61069

37881 20,146456 19,217;43055,43167;47067,47169;48866,48955;500
17,50138;64711,64832;64920,65021;66885,66973;72011,72094;89537,89675;90066,90154
;94807,94906;100501,100694;105636,105740;106317,106449;110454,110491;114410,1144
79;118853,118992;124212,124319;125557,125667;136921,137082;138842,138913;141347,
141492;141743,141811;143562,143674;146208,147505

37881 206,146456 5,217;43055,43167;47067,47169;48866,48955;500
17,50138;64711,64832;64920,65021;66885,66973;72011,72094;89537,89675;90066,90154
;94807,94906;100501,100694;105636,105740;106317,106449;110454,110491;114410,1144
79;118853,118992;124212,124319;125557,125667;136921,137082;138842,138913;141347,
141492;141743,141811;143562,143674;146208,146789;147006,147666

37882 6453,7564 1,120;6388,6876;7469,7564;8536,8766;16815,1683
7;18394,18494;18798,18824;19274,20993

37882 6453,19869 6454,6920;7770,7807;7970,7977;8536,8766;16815
,16837;18394,18494;18798,18824;19274,21083

37882 6453,19714 6454,6920;7770,7807;7970,7977;8548,8766;16815
,16837;18394,18494;18798,18824;19274,19686;19691,21083

37882 6453,19714 79,120;6388,6876;7469,7564;8548,8766;16815,16
837;18394,18494;18798,18824;19274,20363;20379,21083

37883 44,143395 1,59;2558,2724;25776,25985;26649,26788;27913,2
8126;28859,28987;30591,30800;33065,33179;33497,33585;44260,44443;45252,45323;541
29,54238;57046,57192;58064,58228;60060,60245;61366,61575;63973,64089;66774,66941
;73942,74223;74484,74607;81795,81993;87564,87668;92249,92341;99671,99848;102701,
102811;106795,106893;110210,110372;112206,112402;113556,113647;114177,114267;116
455,116535;123587,123679;123769,123843;124969,125143;127061,127206;128189,128272
;128427,128620;130710,130857;135025,135070;136348,136354;136388,136428;137305,13
7348;138213,138335;139619,139723;140295,140407;141300,141423;143248,143768

37883 44,143395 1,59;2558,2724;25776,25985;26649,26788;27913,2
8126;28859,28987;30591,30800;33065,33179;33497,33585;44260,44443;45252,45323;541

29,54238;57046,57192;58064,58228;60060,60245;61366,61575;63973,64089;66774,66941
 ;73942,74223;74484,74607;81795,81993;87564,87668;92249,92341;99671,99848;102701,
 102811;106795,106893;110210,110372;112206,112402;113556,113647;114177,114267;116
 455,116535;123587,123679;123769,123843;124969,125143;127061,127206;128189,128272
 ;128427,128620;130710,130857;135025,135070;136381,136428;137305,137348;138213,13
 8335;139619,139723;140295,140407;141300,141423;143248,143782
 37883 123587,143395 74480,74607;81795,81993;110210,110372;1122
 06,112402;113556,113647;114177,114267;116455,116535;123587,123679;123769,123843;
 124969,125143;127061,127206;128189,128272;128427,128620;130710,130857;135025,135
 111;136338,136428;137305,137348;138213,138335;139619,139723;140295,140407;141300
 ,141423;143248,143861
 37884 1,188900 1,172;1816,1940;158837,158972;159482,159562;159
 837,159845;169303,169433;171381,171492;172420,172440;174048,176454;188329,193912
 37884 1,171552 1,172;1816,1940;158837,158972;159482,159562;159
 964,159993;169303,169433;171381,172755
 37884 1,171552 1,172;1816,1940;158837,158972;159482,159562;161
 012,161017;161175,161198;169303,169433;171381,172755
 37885 4989,6321 1,1425;4727,4859;4961,5242;6098,6432;6521,6667
 37885 4989,6321 371,694;710,714;1375,1425;4727,4859;4961,5242;
 6098,6667
 37885 4989,6321 371,698;1374,1425;4727,4859;4961,5242;6098,666
 7
 37886 0,62198 1,160;40013,40354;46639,46935;50104,50221;54167,
 54318;61618,62198
 37886 402,50174 151,493;40013,40354;46639,46935;50104,50221;54
 167,54318;72882,73020;75386,75467;120334,120396;121183,121509
 37887 236,1139 11,797
 37887 266827,299575 250141,250330;266803,267132;280971,281095;
 292279,292375;293064,293145;293273,293356;296827,296957;299416,301094
 37887 266827,299575 250141,250330;266803,267132;280971,281095;
 292279,292375;293064,293145;293273,293356;296827,296957;299416,301096
 37887 266827,299575 250154,250330;266803,267132;280971,281095;
 292279,292375;293064,293145;296827,296957;299416,299721
 37887 307754,308263 306,843,311,001
 37887 79976,140626 79841,80057;107642,107851;113818,114180;115
 422,115790;130695,130916;132606,132986;134725,135090;137122,137209;140196,143985
 37887 79976,115799 79841,80057;107642,107851;113818,114180;115
 422,116022
 37888 78,18851 1,134;7992,8026;8918,9049;10861,11065;11643,117
 86;11898,11962;14141,14296;14629,14725;18845,18881;19530,19668
 37888 78,19533 1,134;7992,8026;8918,9049;10861,11065;11643,117
 86;11898,11962;14141,14296;14629,14725;19530,19663
 37888 78,19533 1,134;7992,8026;8918,9049;10861,11065;11643,117
 86;11898,11962;14141,14296;14629,14725;19530,19668
 37888 78,18851 1,134;7992,8026;8918,9049;10861,11065;11643,118
 19;11898,11962;14141,14296;14629,14725;18845,18881;19529,19663
 37888 78,19533 1,134;7992,8026;8918,9049;10861,11065;11643,118
 19;11898,11962;14141,14296;14629,14725;19530,19663
 37889 79,30762 1,172;10755,10906;11470,11549;13301,13319;18457
 ,18660;23284,23453;23923,23959;30666,31438

37889 58,64364 59,172;10755,10906;11470,11545;12824,13191;2328
 4,23453;23923,23959;37919,38107;41293,41438;47715,48159;49352,49532;50115,50235;
 57525,57640;64275,66382
 37889 79,64364 59,172;10755,10906;11470,11545;12824,13191;2328
 4,23453;23923,23959;37919,38107;41293,41438;47715,48159;49352,49532;50115,50235;
 57525,57640;64275,66382
 37889 79,64364 80,172;10755,10906;11470,11545;17066,17088;1845
 7,18660;23284,23453;23923,23959;41293,41438;47715,48159;49352,49532;50115,50235;
 57525,57640;64275,66383
 37889 79,64364 80,172;10755,10906;11470,11545;41300,41438;4771
 5,48159;49352,49532;50115,50235;57525,57640;64275,66383
 37890 12792,17743 104,403;5801,5967;11298,11419;12743,12828;14
 922,15055;17141,17329;17707,17742
 37890 151,20717 104,403;5801,5967;11298,11419;12743,12828;1492
 2,15055;17141,17329;20552,21088
 37890 1,20717 1,403;5801,5967;11298,11419;12743,12828;14922,15
 055;17141,17329;20552,21078
 37891 704,24024 121,251;645,880;2433,2522;5209,5262;5587,5688;
 8104,8205;8694,8765;11274,11390;15023,15079;17051,17173;21408,21572;23949,26215
 37891 704,24024 1,251;645,880;2433,2522;5209,5262;5587,5688;81
 04,8205;8694,8765;11274,11390;15023,15079;17051,17173;21408,21572;23949,26208
 37891 25527,25725 297,467;645,880;2433,2522;5209,5262;5587,568
 8;8104,8205;8694,8765;11274,11390;15023,15079;17051,17173;21408,21572;23949,2621
 5
 37891 704,24024 297,467;645,880;2433,2522;5209,5262;5587,5688;
 8104,8205;8694,8765;11274,11390;15023,15079;17051,17173;21408,21572;23949,26215
 37892 286,62245 1,299;5110,5303;19327,19422;19980,20155;24815,
 24890;25697,25831;28203,28379;30977,31095;34690,34795;44808,44899;46618,46732;49
 480,49674;50903,50989;53226,53321;54950,55025;57510,57639;62233,62547
 37892 286,62245 1,299;5110,5303;19327,19422;19980,20155;24815,
 24890;25697,25831;28203,28379;30977,31095;34690,34795;44808,44899;46618,46732;49
 480,49674;50903,50989;53226,53321;54950,55025;57510,57639;62233,62550
 37892 151,65080 1,299;5110,5303;19327,19422;19980,20155;24815,
 24890;25697,25831;28203,28379;30977,31095;34690,34795;44808,44899;46618,46732;49
 480,49674;50903,50989;53226,53321;54950,55025;57510,57639;65071,65080
 37892 5159,28379 250,299;5110,5303;19327,19422;19980,20155;213
 77,21424;24815,24890;25697,25831;28203,28379;30977,31095;34690,34795;44808,44899
 ;46618,46732;49480,49674;50903,50989;53226,53321;54950,55025;57510,57639;62233,6
 2346
 37892 50902,65080 91,299;5110,5303;19980,20155;24815,24890;256
 97,25831;28203,28379;30977,31095;34690,34795;44808,44899;46618,46732;49480,49674
 ;50903,50989;53226,53321;54950,55025;57510,57639;59332,59379;65071,65080
 37893 188588,251248 1,449;36782,36851;175275,175362;188547,188
 691;189217,189324;219045,219190;223019,223277;226581,226713;227115,227256;228151
 ,228214;228324,228421;232371,232431;239995,240116;244250,244324;244635,244762;24
 6613,246778;249904,250005;251222,254739
 37894 16225,18882 1,401;1690,1898;3554,3620;4297,4422;5804,592
 8;6168,6324;9489,9590;9844,9965;10774,10885;13890,14037;14121,14229;14558,14669;
 16130,16390;18404,18475;18781,18931;20949,21137;21487,21687;22706,22831;23544,23
 762;26193,26416;28022,28180;28349,28498;29898,30051;33285,33400;34180,34331;4378

7,44061

37894 293,43958 1,401;1690,1898;3554,3620;4297,4422;5804,5928;
6168,6324;9844,9965;10774,10885;13890,14037;14121,14229;14558,14669;16130,16390;
18404,18475;18781,18931;20949,21137;21487,21687;23544,23762;26193,26416;28022,28
180;28349,28498;29898,30051;33285,33400;34180,34331;43787,44629

37894 21548,43958 17,401;1690,1898;3554,3620;4297,4422;5804,59
28;6168,6324;9489,9590;9844,9965;10758,10885;13890,14037;14121,14229;14558,14669
;16130,16390;18404,18475;18781,18931;20949,21137;21487,21687;23544,23762;26193,2
6416;28022,28180;28349,28498;29898,30051;33285,33400;34180,34331;43787,44010;445
27,44629

37895 311,8611 1,676;1789,2056;3166,3312;4526,4602;4711,4874;5
307,5941;8159,9569

37896 48,4949 17,96;1848,1871;2800,3102;3207,3308;3400,3870;40
43,4198;4320,4359;4446,4522;4624,4704;4923,5860

37896 48,4949 1,96;1848,1871;2800,3102;3207,3308;3400,3870;404
3,4198;4320,4359;4446,4522;4624,4704;4923,5860

37897 210,217589 1,348;82860,83029;110477,110594;119287,119427
;121936,122076;133527,133616;190446,190509;203318,203392;208155,208245;217571,21
7635;223983,224264

37897 210,223998 1,348;82860,83029;110477,110594;119287,119427
;121936,122076;133527,133616;190446,190509;203318,203392;208155,208245;223983,22
4264

37897 210,217589 211,348;82860,83029;110477,110594;119287,1194
27;121936,122076;133527,133616;190446,190509;203318,203392;208155,208245;217571,
217589

37898 97,22260 1,194;881,1010;2516,2716;4773,4932;5191,5319;54
02,5422;5746,5766;5857,5901;7331,7384;7855,7899;7999,8025;8505,8531;8625,8669;90
20,9073;9226,9288;10257,10319;10410,10464;10610,10645;10995,11057;12414,12476;15
668,15730;15947,16009;16368,16418;16645,16680;17144,17206;17400,17465;17904,1793
9;18578,18614;19006,19014;19500,19633;20208,20317;20465,20648;20774,20957;21367,
21396;21638,22330;22385,23295

37898 97,22260 1,194;881,1010;2516,2716;4773,4932;5191,5319;54
02,5422;5746,5766;5857,5901;7331,7384;7855,7899;7999,8025;8505,8531;8625,8669;90
20,9073;9226,9288;10257,10319;10411,10464;10610,10645;10995,11057;12414,12476;15
668,15730;15947,16009;16368,16418;16645,16680;17144,17206;17400,17465;17904,1793
9;18578,18614;19006,19014;19500,19633;20208,20317;20465,20648;20774,20957;21367,
21396;21638,22323;22378,23295

37899 168,43228 1,197;12000,12074;17479,17578;26236,26310;3056
3,30636;32177,32285;37779,37852;37977,38114;40632,40742;43147,43272;47290,49663

37899 168,47368 1,197;12000,12074;17479,17578;26236,26310;3056
3,30636;32177,32285;37779,37852;37977,38114;40632,40742;47290,49663

37900 73,111840 1,128;2506,2605;37842,37998;41321,41398;45451,
45527;51064,51131;52234,52347;53238,53416;55126,55210;60305,60468;61291,61375;64
507,64670;64864,65024;66160,66284;67884,68047;77733,77823;78001,78168;79182,7932
4;84572,84742;85447,85530;85628,85699;85796,85865;86217,86425;88395,88550;88799,
88962;89397,89621;93692,93832;93929,94013;95093,95325;95952,96084;97762,97864;98
686,98821;99227,99314;103065,103277;104277,104443;106445,106567;108964,109072;11
1727,113970

37901 342,3680 1,79;320,371;2004,2103;2194,2300;2430,2520;2611
,2726;2819,2900;3094,3506;3611,3880

37901 342,3680 28,79;320,371;2004,2103;2194,2300;2430,2520;261
1,2726;2819,2900;3094,3506;3611,3880

37902 104993,175432 104994,105144;112760,112851;117603,117692;
128085,128205;129217,129330;143908,144026;144711,144793;145510,145616;148131,148
278;150840,150924;154653,154794;155308,155417;157560,157649;162081,162227;167929
,168126;170106,170296;170630,170722;173197,173377;175250,175902

37902 84604,175432 1,264;84583,84636;104996,105144;112760,1128
51;117603,117692;128085,128205;129217,129330;143908,144026;144711,144793;145510,
145616;148131,148278;150840,150924;154653,154794;155308,155417;157560,157649;162
081,162227;167929,168126;170106,170296;170630,170722;173197,173377;175250,176675

37902 84604,175432 84581,84636;104996,105144;112760,112851;117
603,117692;128085,128205;129217,129330;143908,144026;144711,144793;145510,145616
;148131,148278;150840,150924;154653,154794;155308,155417;157560,157649;162081,16
2227;167929,168126;170106,170296;170630,170722;173197,173377;175250,175432

37903 0,16546 1,950;1332,1479;13313,13421;14210,14320;15471,16
546

37903 4143,16546 4079,4200;13313,13421;14210,14320;15471,16839

37904 152,22538 1,204;415,586;4589,5807;7068,7295;8198,8354;85
85,8694;10381,10460;11071,11242;14309,14407;15417,15606;16380,16457;16606,16800;
17235,17385;17572,17761;18046,18389;18724,18893;19695,19855;20131,20384;21328,21
473;21554,21651;21869,21981;22376,22867

37904 4556,22538 4198,5807;7068,7295;8198,8354;8540,8694;10381
,10460;11071,11242;14309,14407;15417,15606;16380,16457;16606,16800;17235,17385;1
7572,17761;18046,18389;18724,18893;19695,19855;20131,20384;21328,21473;21554,216
51;21869,21981;22376,22872

37905 158,31073 1,242;4354,4560;6048,6064;6278,6310;6415,6447;
6555,6608;6772,6873;7854,7931;8560,8604;8716,8769;9171,9224;10002,10055;10432,10
485;10617,10670;10977,11021;11548,11601;14674,14718;15198,15251;16770,16868;1716
6,17210;17303,17401;17591,17644;18036,18143;18514,18567;18653,18751;18892,18945;
19386,19484;19880,19933;20339,20392;20743,20796;21041,21094;21342,21386;21533,21
631;21870,21977;22319,22372;22650,22703;23083,23136;23511,23564;23818,23925;2441
7,24470;24915,24968;25721,25882;26081,26188;26362,26469;26826,26879;27052,27159;
27324,27377;27560,27667;27912,27965;28409,28516;28874,29162;29617,29804;30148,30
390;30926,31511

37905 158,31073 1,242;4354,4563;4631,4639;4652,4662;4693,4719;
6415,6447;6555,6608;6772,6873;7854,7931;8560,8604;8716,8769;9171,9224;10002,1005
5;10432,10485;10617,10670;10977,11021;11548,11601;14674,14718;15198,15251;16770,
16868;17166,17210;17303,17401;17591,17644;18036,18143;18514,18567;18653,18751;18
892,18945;19386,19484;19880,19933;20339,20392;20743,20796;21041,21094;21342,2138
6;21533,21631;21870,21977;22319,22372;22650,22703;23083,23136;23511,23564;23818,
23925;24417,24470;24915,24968;25721,25882;26081,26188;26362,26469;26826,26879;27
052,27159;27324,27377;27560,27667;27912,27965;28409,28516;28874,29162;29617,2980
4;30148,30390;30926,31511

37905 158,31073 1,242;6048,6064;6278,6310;6415,6447;6555,6608;
6772,6873;7854,7931;8560,8604;8716,8769;9171,9224;10002,10055;10432,10485;10617,
10670;10977,11021;11548,11601;14674,14718;15198,15251;16770,16868;17166,17210;17
303,17401;17591,17644;18036,18143;18514,18567;18653,18751;18892,18945;19386,1948
4;19880,19933;20339,20392;20743,20796;21041,21094;21342,21386;21533,21631;21870,
21977;22319,22372;22650,22703;23083,23136;23511,23564;23818,23925;24417,24470;24
915,24968;25721,25882;26081,26188;26362,26469;26826,26879;27052,27159;27324,2737

7;27560,27667;27912,27965;28409,28516;28874,29162;29617,29804;30148,30390;30926,31511
37905 158,31073 158,246;394,430;6415,6447;6555,6608;6772,6873;
7854,7931;8560,8604;8716,8769;9171,9224;10002,10055;10432,10485;10617,10670;1097
7,11021;11548,11601;14674,14718;15198,15251;16770,16868;17166,17210;17303,17401;
17591,17644;18036,18143;18514,18567;18653,18751;18892,18945;19386,19484;19880,19
933;20339,20392;20743,20796;21041,21094;21342,21386;21533,21631;21870,21977;2231
9,22372;22650,22703;23083,23136;23511,23564;23818,23925;24417,24470;24915,24968;
25721,25882;26081,26188;26362,26469;26826,26879;27052,27159;27324,27377;27560,27
667;27912,27965;28409,28516;28874,29162;29617,29804;30148,30390;30926,31511
37906 231,204870 1,555;152566,152712;159718,159931;183949,1841
01;186185,186350;189264,189353;189896,189997;191900,191996;192435,192570;194451,
194680;196175,196353;196903,197008;197248,197350;197870,197960;202487,202555;202
878,202991;204672,206268
37907 110144,124763 109991,110226;123652,126276
37907 0,837141 1,41;836428,836716;836722,836928;836931,837083;
837085,837141
37908 49,633151 1,161;166722,166892;176588,176700;214977,21521
9;260705,260884;263763,263852;265783,265900;271309,271487;282380,282479;294510,2
94670;307009,307149;309484,309657;366916,367017;368888,369099;377515,377626;3839
10,384023;387428,387555;396865,396951;404651,404862;408418,408524;414489,414669;
417540,417676;429665,429901;431459,431602;432280,432459;432566,432754;432842,432
975;437342,437459;445082,445216;459147,459271;466102,466188;469968,470161;483023
,483165;486696,486794;499926,500037;508295,508457;509849,510059;518028,518144;51
9128,519291;520625,520763;544556,544658;555450,555566;557620,557802;559026,55903
1;562471,562625;569792,569935;570959,571092;573139,573298;577004,577128;581094,5
81256;581949,582093;590018,590156;592194,592205;595497,595617;598067,598243;6032
78,603426;608705,608881;609119,609287;619463,619575;619895,620084;622004,622159;
624293,624446;629167,629297;631177,631399;632994,633367
37908 49,633151 1,161;166722,166892;176588,176700;214977,21521
9;260705,260884;263763,263852;265783,265900;271309,271487;282380,282479;294510,2
94670;307009,307149;309484,309657;366916,367017;368888,369099;377515,377626;3839
10,384023;387428,387555;396865,396951;404651,404862;408418,408524;414489,414669;
417540,417676;429665,429901;431459,431602;432280,432459;432566,432754;432842,432
975;437342,437459;445082,445216;459147,459271;466102,466188;469968,470161;483023
,483165;486696,486794;499926,500037;508295,508457;509849,510059;518028,518144;51
9128,519291;520625,520763;544556,544658;555450,555566;557620,557802;559867,55987
2;562471,562625;569792,569935;570959,571092;573139,573298;577004,577128;581094,5
81256;581949,582093;590018,590156;592194,592205;595497,595617;598067,598243;6032
78,603426;608705,608881;609119,609287;619463,619575;619895,620084;622004,622159;
624293,624446;629167,629297;631177,631399;632994,633367
37908 49,633151 1,161;166722,166892;176588,176700;214977,21521
9;260705,260884;263763,263852;265783,265900;271309,271487;282380,282479;294510,2
94670;307009,307149;309484,309657;366916,367017;368888,369099;377515,377626;3839
10,384023;387428,387555;396865,396951;404651,404862;408418,408524;414489,414669;
417540,417676;429665,429901;431459,431602;432280,432459;432566,432754;432842,432
975;437342,437459;445082,445216;459147,459271;466102,466188;469968,470161;483023
,483165;486696,486794;499926,500037;508295,508457;509849,510059;518028,518144;51
9128,519291;520625,520763;544556,544658;555450,555566;557620,557802;562471,56262
5;569792,569935;570959,571092;573139,573298;577004,577128;581094,581256;581949,5

82093;590018,590156;595205,595216;595497,595617;598067,598243;603278,603426;608705,608881;609119,609287;619463,619575;619895,620084;622004,622159;624293,624446;629167,629297;631177,631399;632994,633367

37908 49,633116 50,161;166722,166892;176588,176700;214977,215219;260705,260884;263763,263852;265783,265900;271309,271487;282380,282479;294510,294670;307009,307149;309484,309657;366916,367017;368888,369099;377515,377626;383910,384023;387428,387555;396865,396951;404651,404862;408418,408524;414489,414669;417540,417676;429665,429901;431459,431602;432280,432459;432566,432754;432842,432975;437342,437459;445082,445216;459147,459271;466102,466188;469968,470161;483023,483165;486696,486794;499926,500037;508295,508457;509849,510059;518028,518144;519128,519291;520625,520763;544556,544658;555450,555566;557620,557802;562471,562625;569792,569935;570959,571092;573139,573298;577004,577128;581094,581256;581949,582093;590018,590156;595205,595216;595497,595617;598067,598243;603278,603426;608705,608881;609119,609287;619463,619575;619895,620084;622004,622159;624293,624446;629167,629297;631177,631399;632994,633073;633078,633116

37909 265,577 1,130;234,968

37910 85995,278295 1,37;76749,76851;85947,86033;216075,216292;238136,238287;257988,258191;259060,259140;269253,269321;269982,270038;270655,270702;277774,279818

37910 85995,278295 1,37;76750,76851;85948,86033;216075,216292;238136,238287;257988,258191;259060,259140;269253,269321;269982,270038;270655,270702;277774,279818

37910 163315,278295 163222,163332;216075,216292;238136,238287;257988,258191;259060,259140;261052,261123;269253,269321;269982,270038;270655,270702;277774,279818

37911 17743,432646 12,487;2789,2834;17744,17932;181856,181957;262486,262573;268187,268306;320719,320791;430837,430960;432473,439290

37911 2831,432646 12,487;2789,2834;17744,17932;181856,181957;262486,262573;268187,268306;320719,320791;430837,430960;432473,439290

37911 2831,431032 12,487;2789,2834;17744,17932;181856,181957;262486,262573;268187,268306;320719,320791;430837,431313

37911 17743,432646 1,487;17744,17932;181856,181957;262486,262573;268187,268306;320719,320791;430837,430960;432473,439290

37912 1,37239 1,45;6745,6888;13316,13581;16247,16352;16503,16645;18398,18690;19124,19265;19631,21133;23343,23438;28799,28896;30697,30861;34722,34829;37012,38059

37913 649,1102 1,288;645,1415

37914 4511,7260 1,382;4398,5167;6215,6314;7078,7663

37914 4511,7234 17,382;4398,5167;6215,6314;7160,7655

37915 1262,8241 1,36;1254,1429;3162,3299;3849,3966;5598,5740;5825,5992;7836,8346

37916 80,7103 1,362;914,1156;1473,1604;4556,4659;5691,5804;6944,7299

37916 80,1634 1,362;914,1156;1473,2913

37917 77,12670 1,141;1515,1614;1675,1679;5252,5358;8320,8482;8706,8759;12609,15519

37917 77,9191 1,141;1515,1614;1675,1679;5252,5358;8320,8482;8706,8759;8893,11249

37917 77,12670 1,141;1515,1621;5257,5358;8320,8482;8706,8759;12609,13883

37917	77,9191	1,141;1515,1621;5257,5358;8320,8482;8706,8759;88 93,11249
37918	77,12662	1,141;1499,1605;5240,5341;8305,8467;8691,8744;1 2601,13875
37918	77,9176	1,141;1499,1605;5240,5341;8305,8467;8691,8744;88 78,11238
37919	1,123437	1,296;5918,6048;17159,17347;18249,18423;23734,2 3837;27424,27581;36503,37079;47695,47969;58381,58632;59770,59907;70037,70164;794 50,79568;81676,82103;99716,99937;109342,109507;110734,110977;115586,115729;11905 9,119194;121324,121405;123294,125563
37920	14664,27167	1,165;14624,14842;18035,18118;20168,20336;20 827,20969;22760,22963;23413,23567;23727,23812;24594,24696;25372,25526;25687,2578 6;25862,26019;26421,26503;27010,28831
37920	14664,27167	1280,1324;14624,14842;18035,18118;22760,2285 8;23440,23567;23727,23812;24594,24696;25372,25526;25687,25786;25862,26019;26421, 26503;27010,28829
37920	18093,25405	1600,1781;14624,14842;18035,18118;22760,2285 8;23440,23567;23727,23812;25372,25526;25687,25786;25862,26019;26421,26503;27010, 28831
37920	14664,27167	1600,1781;14624,14842;18035,18118;22760,2288 9;23462,23567;23727,23812;24594,24696;25372,25526;25687,25786;25862,26019;26421, 26503;27010,28836
37921	10013,32174	1,295;10005,10084;21044,21131;23476,23604;28 667,28780;30369,30529;31928,32906
37921	21059,32174	1,295;10005,10084;21044,21131;23476,23604;28 667,28780;30369,30529;31928,32907
37922	57,4002	1,117;1375,1641;2784,3104;3823,4152
37923	71,20133	1,183;6402,6615;7549,7693;12035,12131;14389,145 58;15634,15814;16958,17082;19816,20442
37923	71,20133	4,183;6402,6615;7549,7693;12035,12131;14389,145 58;15634,15814;16958,17082;19816,20442
37924	1,5552	1,3952;4193,4305;4388,4459;4797,4943;5038,5184;52 98,5420;5537,5551
37925	1674,3439	1,1896;2006,2154;2458,3610
37925	96,3439	1,98;1674,1896;2006,2154;2458,3610
37925	96,3439	29,98;1674,1896;2006,2154;2458,3611
37926	25350,71500	11,268;25338,25599;28320,28550;32890,32968;3 3476,33705;40292,40372;40956,41057;43788,43961;44106,44205;46326,46375;46463,465 30;48189,48297;50158,50319;71429,71501;71975,72288
37926	25338,55792	1,268;25338,25599;28320,28550;32890,32968;33 476,33701;40285,40372;40956,41057;43788,43961;44106,44205;46326,46375;46463,4653 0;48189,48297;50158,50319;55760,55810;56412,56998
37926	25338,71500	15,268;25338,25599;28320,28550;32890,32968;3 3476,33701;40285,40372;40956,41057;43788,43961;44106,44205;46326,46375;46463,465 30;48189,48297;50158,50319;57855,57986;71432,71505;72848,72964;81831,82145
37926	25350,71500	15,268;25338,25599;28320,28550;32890,32968;3 3476,33705;40292,40372;40956,41057;43788,43961;44106,44205;46326,46375;46463,465 30;48189,48297;50158,50319;57855,57985;63133,63199;71429,71500
37927	796,5602	10,50;765,807;988,1140;3832,3976;5579,5677
37927	1,5602	1,50;765,807;988,1140;3832,3976;5579,5677

37928 202,7689 1,205;3037,3067;4231,4374;6670,6678;6834,6940;7
 351,7486;7661,7779;8064,11023
 37928 202,7689 1,205;3037,3067;4231,4374;6834,6940;7351,7486;7
 661,7779;8064,11023
 37928 202,7689 5,205;3037,3067;4231,4374;6834,6940;7351,7486;7
 661,7765;8050,11023
 37929 168,27436 1,293;9382,9428;13430,13453;13579,13669;17671,
 17749;20438,20512;21739,21784;22546,22690;23229,23283;23511,23592;25266,25397;25
 505,25628;26078,26134;27346,28511
 37929 168,27436 1,293;9382,9428;13579,13669;15091,15177;17671,
 17749;20438,20512;21739,21784;22546,22690;23229,23283;23511,23592;25266,25397;25
 505,25628;26078,26134;27346,28537
 37929 911,27436 858,988;9382,9428;13579,13669;15091,15177;1767
 1,17749;20438,20512;21739,21784;22546,22690;23229,23283;23511,23592;25266,25397;
 25505,25628;26078,26134;27346,28537
 37930 6526,11606 1,66;6474,6619;8876,9184;10755,10888;11396,12
 742
 37931 74,2270 1,131;435,543;625,735;1210,2423
 37931 74,2270 16,131;435,543;625,735;1210,2421
 37932 29,2051 1,132;1010,1083;1287,1386;1939,2134
 37932 29,2051 1,132;1010,1083;1287,1386;1939,2136
 37933 6003,19953 1,97;5955,6062;9103,9181;12383,12552;14238,14
 411;14502,14668;15977,16125;16742,16893;17002,17226;17740,17847;17977,18121;1958
 0,19730;19871,20090
 37933 12394,19953 1,97;9103,9181;12383,12552;14238,14411;14502
 ,14668;15977,16125;16742,16893;17002,17226;17740,17847;17977,18121;19580,19730;1
 9871,20090
 37933 6003,19953 5913,6062;9103,9181;12383,12552;14238,14411;1
 4502,14668;15977,16125;16742,16893;17002,17226;17740,17847;17977,18121;19580,197
 30;19871,20090
 37934 18364,87945 1,172;18359,18492;47500,47607;50888,50987;53
 611,53705;60928,61059;62865,62953;63296,63395;65192,65355;72813,72891;77634,7775
 9;81141,81268;87213,87391;87757,88159
 37934 18364,87945 131,172;18359,18492;47500,47607;50888,50987;
 53611,53705;60928,61059;62865,62953;63296,63395;65192,65355;72813,72891;77634,77
 759;81141,81268;87213,87391;87757,88643;88674,88718;88769,89249
 37935 386,851167 1,679;26826,26909;28340,28453;34234,34362;359
 66,36174;66678,66852;72195,72282;77672,77927;122332,122515;148237,148391;171547,
 171631;173151,173359;174680,174798;187742,187874;192603,192784;206421,206634;208
 242,208430;221905,222123;240669,240806;301046,301139;332637,332689;368328,368422
 ;373561,373639;375559,375716;425650,425711;455845,455923;633635,633742;754265,75
 4379;851046,851167;851710,852938;854239,854498;855259,855371
 37935 386,851167 1,679;26826,26909;28340,28453;34234,34362;359
 66,36174;66678,66852;72195,72282;77672,77927;122332,122515;148237,148391;171547,
 171631;173151,173359;174680,174798;187742,187874;192603,192784;206421,206634;208
 242,208430;221905,222123;240669,240806;301046,301139;332637,332689;368328,368422
 ;373561,373639;375559,375716;425650,425711;455845,455923;633635,633742;754265,75
 4379;851046,851167;851710,852942;854243,854499;855260,855371
 37935 72243,851167 523,679;26826,26909;28340,28453;34234,34362
 ;35966,36174;66678,66852;72195,72282;77672,77927;122332,122515;148237,148391;171

547, 171631; 173151, 173359; 174680, 174798; 187742, 187874; 192603, 192784; 206421, 206634
; 208242, 208430; 221905, 222123; 240669, 240806; 301046, 301139; 332637, 332689; 368328, 36
8422; 373561, 373639; 375559, 375716; 425650, 425711; 455845, 455923; 633635, 633742; 75426
5, 754379; 851046, 851501; 853050, 853174

37936 3317, 25714 1, 56; 3201, 3689; 6472, 6720; 6824, 6921; 7018, 7165;
7712, 7830; 7923, 8000; 8092, 8254; 8338, 8538; 9076, 9213; 9303, 9426; 9605, 9741; 9843, 10036
; 10190, 10303; 10397, 10540; 11778, 11901; 11984, 12144; 12230, 12320; 12414, 12583; 12775, 1
2892; 12992, 13254; 13975, 14572; 14657, 14830; 14916, 15078; 15156, 15316; 15408, 15578; 159
94, 16117; 16207, 16363; 16939, 17128; 17288, 17311; 19490, 19737; 19851, 19946; 20079, 20181
; 20271, 20411; 20519, 20647; 20835, 21008; 21105, 21266; 21358, 21561; 21638, 21790; 21887, 2
2009; 22115, 22381; 22541, 22678; 22866, 22981; 23521, 23653; 24355, 24531; 24695, 24913; 249
97, 25200; 25526, 25965

37936 3281, 25714 1, 56; 3201, 3689; 6472, 6720; 6824, 6921; 7018, 7165;
7712, 7830; 7923, 8000; 8092, 8254; 8338, 8538; 9076, 9213; 9303, 9426; 9605, 9741; 9843, 10036
; 10190, 10303; 10397, 10540; 11778, 11901; 11984, 12144; 12230, 12320; 12414, 12583; 12775, 1
2892; 12992, 13254; 13975, 14572; 14657, 14830; 14916, 15078; 15156, 15316; 15408, 15578; 159
94, 16117; 16207, 16363; 16939, 17128; 19490, 19737; 19851, 19946; 20079, 20181; 20271, 20411
; 20519, 20647; 20835, 21008; 21105, 21266; 21358, 21561; 21638, 21794; 21891, 22009; 22115, 2
2381; 22541, 22678; 22866, 22981; 23521, 23653; 24355, 24531; 24695, 24913; 24997, 25200; 255
26, 25965

37936 3317, 25714 3279, 3689; 6472, 6720; 6824, 6921; 7018, 7165; 7712,
7830; 7923, 8000; 8092, 8254; 8338, 8538; 9076, 9213; 9303, 9426; 9605, 9741; 9843, 10036; 1019
0, 10303; 10397, 10540; 11778, 11901; 11984, 12144; 12230, 12320; 12414, 12583; 12775, 12892;
12992, 13254; 13975, 14572; 14657, 14830; 14916, 15078; 15156, 15316; 15408, 15578; 15994, 16
117; 16207, 16363; 16939, 17128; 17288, 17311; 19490, 19737; 19851, 19946; 20079, 20181; 2027
1, 20411; 20519, 20647; 20835, 21008; 21105, 21266; 21358, 21561; 21638, 21794; 21891, 22009;
22115, 22381; 22541, 22678; 22866, 22981; 23521, 23653; 24355, 24531; 24695, 24913; 24997, 25
200; 25526, 26033

37937 1, 44625 1, 329; 5901, 6132; 29237, 29414; 31085, 31216; 35097, 35
293; 38642, 38789; 40205, 40323; 41628, 41706; 44572, 44875

37937 271, 56274 270, 329; 5901, 6132; 29237, 29414; 31085, 31216; 3509
7, 35293; 38642, 38789; 40205, 40323; 41628, 41706; 48336, 48473; 50402, 50476; 55390, 57867

37937 271, 71887 270, 329; 5901, 6132; 29237, 29414; 31085, 31216; 3509
7, 35293; 38642, 38789; 40205, 40323; 41628, 41706; 48336, 48473; 50402, 50476; 62060, 62197;
65437, 65550; 66448, 66633; 68763, 68830; 70823, 70922; 71696, 73803

37937 325, 56274 275, 329; 5901, 6132; 29237, 29414; 31085, 31216; 3509
7, 35293; 38642, 38789; 40205, 40323; 41628, 41706; 48336, 48473; 50402, 50476; 55390, 57871

37937 325, 71887 275, 329; 5901, 6132; 29237, 29414; 31085, 31216; 3509
7, 35293; 38642, 38789; 40205, 40323; 41628, 41706; 48336, 48473; 50402, 50476; 62060, 62197;
65437, 65550; 66448, 66633; 68763, 68830; 70823, 70922; 71696, 73803

37938 1354, 6640 1, 184; 1328, 1462; 1658, 1764; 2695, 2866; 4126, 4278;
5196, 5310; 5398, 5523; 5613, 5695; 6329, 7321

37938 1354, 6640 56, 184; 1328, 1462; 1658, 1764; 2695, 2866; 4126, 4278
; 5196, 5310; 5398, 5523; 5613, 5695; 6329, 7312

37939 1927, 6613 1, 63; 1855, 2228; 5145, 5181; 5311, 5441; 6390, 6870

37939 1927, 6613 25, 63; 1855, 2228; 5145, 5181; 5311, 5441; 6390, 6870

37940 78, 4760 1, 215; 4094, 5073

37940 78, 4760 1, 215; 4094, 5074

37941 110, 176946 110, 209; 26105, 26656; 109364, 109685; 119270, 1194
18; 121567, 121711; 123250, 123464; 125907, 126033; 127597, 127847; 130802, 130969; 141074,

141275;150911,151185;152185,152324;161684,161843;165047,165149;167350,167417;168
474,168718;171012,171122;171228,171387;173252,173381;174418,174552;176591,176945
37941 110,176946 1,209;26105,26656;109364,109685;119270,119418
;121567,121711;123250,123464;125907,126033;127597,127847;130802,130969;141074,14
1275;143469,143504;150911,151185;152185,152324;161684,161843;165047,165149;16735
0,167417;168474,168718;171012,171122;171228,171387;173252,173381;174418,174552;1
76591,177374
37942 18591,30778 1,46;18579,18703;19312,19415;20980,21057;234
72,23615;23719,23804;25460,25565;26785,26962;28935,29119;29404,29527;29675,29757
;30081,30224;30695,31893
37943 73,95269 1,131;20934,21119;21813,21918;23945,24021;25432
,25623;27579,27749;33020,33193;37376,37570;38019,38195;61691,61873;63549,63725;7
3077,73253;74426,74608;74717,74896;76302,76478;84780,84962;85431,85616;88575,887
48;89831,90007;91408,91584;93773,93955;95067,95426
37943 20932,53715 20933,21119;21813,21918;23945,24021;25432,25
623;27579,27749;33020,33193;37376,37570;38019,38195;53705,53715
37944 714,84652 1,32;688,770;1172,1266;3129,3226;3353,3382;622
4,6334;14969,15109;55568,55664;57298,57465;58678,58779;59557,59671;60018,60134;6
1197,61384;64104,64215;66828,66937;68699,68834;71306,71416;72867,73029;73857,740
92;84592,86325
37945 31,38573 1,102;3852,3924;17874,17947;18163,18241;22853,2
2920;24571,24703;26279,26328;27864,27966;28056,28225;28309,28441;29088,29146;292
33,29311;30426,30499;30805,30963;31045,31168;34458,34593;34759,34994;38430,40983
37945 31,38573 1,102;3852,3924;17874,17947;18163,18241;22853,2
2920;24571,24703;26279,26328;27864,27966;28056,28225;28309,28441;29088,29146;292
33,29311;30426,30499;30805,30963;31045,31168;34458,34593;34759,34994;38430,40985
37945 31,38573 31,102;3852,3924;17874,17947;18163,18241;22853,
22920;24571,24703;26279,26328;27864,27966;28056,28225;28309,28441;29088,29146;29
233,29311;30426,30499;30805,30963;31045,31168;34458,34593;37846,38072;38430,3859
2
37946 1632,8760 1,92;1610,1760;2937,3090;8632,9282
37947 62,1835 1,623;1584,2292
37948 148,43769 1,193;10712,11065;19874,19963;30204,30311;3151
2,31604;32627,32719;33487,33579;39086,39117;40454,40478;41405,41437;43764,46607;
46625,47756
37948 148,43773 1,193;10712,11065;19874,19963;30204,30311;3151
2,31604;32627,32719;33487,33579;39086,39117;43764,46607;46625,47756
37948 148,43773 147,193;10712,11065;19874,19963;30204,30311;31
512,31604;32627,32719;33487,33579;39086,39117;43764,47756
37948 148,40478 148,193;10712,11065;19874,19963;30204,30311;31
512,31604;32627,32719;33487,33579;39086,39117;40454,40478;41405,41437;43764,4775
6
37949 508,13040 1,636;2852,3028;4736,4858;10265,10399;12914,14
237
37949 508,13040 1,636;2852,3028;4736,4858;10265,10399;12914,14
238
37950 43,5873 1,99;1280,1454;3451,3566;4370,4450;5213,5271;539
6,5474;5807,5886;6638,7202
37950 43,5873 21,99;1280,1454;3451,3566;4370,4450;5213,5271;53
96,5474;5807,5886;6638,7191

37951 72,2274 1,151;315,421;1415,1548;1823,1901;2131,2500
37952 2,260895 1,558;43186,43434;46047,46228;93571,93726;95057
,95269;154706,154900;162120,162354;166694,166809;174545,174677;175923,176026;189
264,189458;190364,190627;207563,207741;211859,211992;219085,219238;223888,224032
;225366,225481;229265,229382;229633,229778;230214,230388;234720,234893;254072,25
4167;256976,257058;257408,257618;260031,260118;260810,262053
37953 0,21515 1,14;15994,16116;17222,17304;17877,17950;21351,2
1692
37953 12457,21515 12403,12474;15994,16116;17222,17304;17877,17
950;21351,21697
37954 218499,284309 1,262;89605,89655;218499,218723;246760,246
903;250425,250478;260154,260246;263020,263080;267035,267088;267209,267301;268483
,268615;281942,282030;282508,282580;284254,284428
37954 218499,284299 188096,188311;218499,218723;246760,246903;
260154,260246;263020,263080;267035,267088;267209,267301;268483,268615;272359,272
398;281942,282030;282508,282580;284254,284558
37954 188285,284309 188119,188311;218499,218723;246757,246903;
250425,250478;260154,260246;263020,263080;267035,267088;267209,267301;268483,268
615;281942,282030;282508,282580;284254,284903
37954 218499,284299 188119,188311;218499,218723;246760,246903;
250425,250478;260154,260246;263020,263080;267035,267088;267209,267305;267978,267
985;268483,268615;272359,272398;281942,282030;282508,282580;284254,284903
37954 188285,284309 188122,188311;218499,218723;246757,246903;
250425,250478;260154,260246;263020,263080;267035,267088;267209,267301;268483,268
615;281942,282030;282508,282580;284254,284901
37955 168,27436 1,293;9382,9428;13430,13453;13579,13669;17671,
17749;20438,20512;21739,21784;22546,22690;23229,23283;23511,23592;25266,25397;25
505,25628;26078,26134;27346,28511
37955 168,27436 1,293;9382,9428;13579,13669;15091,15177;17671,
17749;20438,20512;21739,21784;22546,22690;23229,23283;23511,23592;25266,25397;25
505,25628;26078,26134;27346,28537
37955 911,27436 858,988;9382,9428;13579,13669;15091,15177;1767
1,17749;20438,20512;21739,21784;22546,22690;23229,23283;23511,23592;25266,25397;
25505,25628;26078,26134;27346,28537
37956 186,1895 1,188;616,693;970,1083;1416,1545;1833,2269
37956 186,1895 80,188;616,693;970,1083;1416,1545;1833,2271
37957 183,917 1,531;861,924;1703,2469
37958 84,102630 1,250;20449,20585;22822,22953;29003,29099;3185
7,32007;33903,34035;40589,40747;41330,41398;42748,42854;43879,44019;44669,44806;
46437,46592;48278,48476;54219,54364;59819,60040;61915,62088;66203,66395;66650,66
756;68126,68230;68330,68431;77007,77135;78187,78314;78427,78562;80012,80074;8027
7,80456;82393,82473;83392,83523;84698,84856;87926,88017;89676,89850;91364,91539;
92873,93093;94379,94515;96878,97001;97971,98117;98475,98725;100331,100547;100985
,101080;101155,101238;102529,104073
37958 84,102630 1,250;20449,20585;22822,22953;29003,29099;3185
7,32007;33903,34035;40589,40768;41345,41398;42748,42854;43879,44019;44669,44806;
46437,46592;48278,48476;54219,54364;59819,60040;61915,62088;66203,66395;66650,66
756;68126,68230;68330,68431;77007,77135;78187,78314;78427,78562;80012,80074;8027
7,80456;82393,82473;83392,83523;84698,84856;87926,88017;89676,89850;91364,91539;
92873,93093;94379,94515;96878,97001;97971,98117;98475,98725;100331,100547;100985

, 101080; 101155, 101238; 102529, 104073

37959 186, 47639 1, 235; 34895, 34963; 35881, 36231; 36855, 37166; 3789
3, 38195; 39391, 39456; 41744, 41884; 42240, 42335; 44034, 44156; 45800, 45871; 46080, 46334;
46610, 46714; 47575, 48695

37959 186, 47639 23, 235; 34895, 34963; 35881, 36231; 36855, 37166; 378
93, 38195; 39391, 39456; 41744, 41884; 42240, 42335; 44034, 44156; 45800, 45871; 46080, 46334
; 46610, 46714; 47575, 48695

37959 34887, 47639 34888, 34963; 35881, 36231; 36855, 37166; 37893, 38
195; 39391, 39456; 41744, 41884; 42240, 42335; 45800, 45871; 46080, 46334; 47575, 47639

37959 34887, 47639 34888, 34963; 35881, 36231; 36855, 37166; 37893, 38
195; 39391, 39456; 41744, 41884; 44034, 44156; 45800, 45871; 46080, 46334; 47575, 47639

37959 34887, 47639 34888, 34963; 35881, 36231; 36855, 37166; 37893, 38
195; 39391, 39456; 41744, 41884; 45800, 45871; 46080, 46334; 46610, 46714; 47575, 47639

37959 186, 47639 46, 235; 34895, 34963; 35881, 36231; 36855, 37166; 378
93, 38195; 39391, 39456; 41744, 41884; 44034, 44156; 45800, 45871; 46080, 46334; 46610, 46714
; 47575, 47639

37960 180, 803 1, 418; 781, 903; 3192, 3238; 3328, 3392; 11596, 11664; 26
467, 26628

37961 1676, 383721 1, 191; 1644, 1745; 50304, 50423; 119438, 119565; 15
0565, 150610; 165726, 165962; 184004, 184130; 204681, 204755; 216717, 216874; 231016, 23112
7; 236024, 236162; 237244, 237294; 238599, 238803; 243773, 243920; 245562, 245646; 259007, 2
59293; 269819, 269948; 288511, 288703; 288818, 288997; 316399, 316552; 328188, 329259; 3346
06, 334733; 337001, 337129; 360457, 360639; 362298, 362414; 367325, 367508; 371153, 371351;
377250, 377347; 382688, 382902; 383615, 385754

37962 59641, 798388 1, 141; 59609, 59779; 61456, 61648; 71629, 71839; 8
1967, 82141; 90959, 91116; 92964, 93074; 112898, 112964; 116317, 116419; 119097, 119263; 145
470, 145611; 211463, 211556; 234479, 234629; 477859, 477972; 524006, 524080; 540009, 540134
; 542597, 542740; 592797, 592838; 652316, 652444; 797940, 798032; 798374, 798665; 824545, 82
4574

37962 542596, 830484 541506, 541606; 542597, 542740; 592797, 592838;
652316, 652444; 797940, 798032; 809760, 809870; 816561, 816665; 819290, 819373; 823317, 823
388; 829124, 829321; 830332, 830996

37962 59641, 798032 59642, 59779; 61456, 61648; 71629, 71839; 81967, 8
2141; 90959, 91116; 92964, 93074; 112898, 112964; 116317, 116419; 119097, 119263; 145470, 14
5611; 211463, 211556; 234479, 234629; 477859, 477972; 524006, 524080; 540009, 540134; 54259
7, 542740; 592797, 592838; 652316, 652444; 797940, 798032; 798374, 798656; 809760, 809870; 8
16561, 816665; 819290, 819373; 823317, 823388; 829124, 829321; 830332, 830824

37962 640687, 830484 616179, 616207; 640434, 640984; 652316, 652444;
797940, 798032; 809760, 809870; 816561, 816665; 819290, 819373; 823317, 823388; 829124, 829
321; 830332, 835790

37962 714943, 815259 714944, 714990; 717876, 718089; 797940, 798032;
815248, 815259

37963 179, 2684 1, 245; 486, 537; 628, 711; 2156, 2257; 2348, 2388; 2514,
3034

37963 107, 20544 1, 245; 486, 537; 628, 767; 925, 936; 2215, 2253; 2349, 2
388; 2514, 2533; 2536, 2553; 2556, 2635; 20523, 20544

37963 179, 2684 15, 245; 486, 537; 628, 711; 2156, 2257; 2348, 2388; 2514
, 3036

37964 1302, 282499 1068, 1312; 1505, 1556; 128670, 128750; 218124, 218
258; 219756, 219800; 225270, 225386; 227758, 227826; 229494, 229529; 232918, 232980; 233803

, 233838; 234018, 234059; 235086, 235178; 236517, 236570; 242919, 242987; 244372, 244416; 244911, 244964; 245801, 245870; 246918, 247025; 247965, 248105; 249002, 249106; 250821, 250981; 251471, 251650; 252219, 252402; 258530, 258601; 258876, 258983; 260060, 260281; 260653, 260814; 262487, 262657; 263701, 263844; 264283, 264408; 264877, 265058; 266966, 267029; 268037, 268111; 268581, 268688; 268782, 268889; 269482, 269553; 269878, 270003; 274012, 274128; 274460, 274621; 274800, 274898; 276460, 276606; 277763, 277879; 278844, 279035; 279750, 280036; 282238, 283882

37964 128670, 282499 1068, 1312; 1505, 1556; 128670, 128750; 218124, 218300; 225270, 225386; 227758, 227826; 232725, 232754; 232918, 232980; 235003, 235062; 235068, 235178; 236517, 236570; 242919, 242987; 244857, 244964; 245801, 245870; 246918, 247025; 247965, 248105; 249002, 249106; 250821, 250981; 251471, 251650; 252219, 252402; 258530, 258601; 258876, 258983; 260060, 260281; 260653, 260814; 262487, 262657; 263701, 263844; 264283, 264408; 264877, 265058; 266966, 267029; 268037, 268111; 268581, 268688; 268782, 268889; 269482, 269553; 269878, 270003; 274012, 274128; 274460, 274621; 274800, 274898; 276460, 276606; 277763, 277879; 278844, 279035; 279750, 280036; 282238, 283882

37964 128670, 170421 1, 140; 1505, 1556; 128670, 128750; 170346, 171850

37964 127, 282499 17, 140; 1505, 1556; 128670, 128750; 218124, 218258; 219756, 219800; 225270, 225386; 227758, 227826; 229494, 229529; 232918, 232980; 233803, 233838; 234018, 234059; 235086, 235178; 236517, 236570; 242919, 242987; 244372, 244416; 244911, 244964; 245801, 245870; 246918, 247025; 247965, 248105; 249002, 249106; 250821, 250981; 251471, 251650; 252219, 252402; 258530, 258601; 258876, 258983; 260060, 260281; 260653, 260814; 262487, 262657; 263701, 263844; 264283, 264408; 264877, 265058; 266966, 267029; 268037, 268111; 268581, 268688; 268782, 268889; 269482, 269553; 269878, 270003; 274012, 274128; 274460, 274621; 274800, 274898; 276460, 276606; 277763, 277879; 278844, 279035; 279750, 280036; 282238, 283882

37964 128670, 282499 17, 140; 1505, 1556; 128670, 128750; 218124, 218300; 225270, 225386; 227758, 227826; 232725, 232754; 232918, 232980; 235003, 235062; 235068, 235178; 236517, 236570; 242919, 242987; 244857, 244964; 245801, 245870; 246918, 247025; 247965, 248105; 249002, 249106; 250821, 250981; 251471, 251650; 252219, 252402; 258530, 258601; 258876, 258983; 260060, 260281; 260653, 260814; 262487, 262657; 263701, 263844; 264283, 264408; 264877, 265058; 266966, 267029; 268037, 268111; 268581, 268688; 268782, 268889; 269482, 269553; 269878, 270003; 274012, 274128; 274460, 274621; 274800, 274898; 276460, 276606; 277763, 277879; 278844, 279035; 279750, 280036; 282238, 283882

37965 214, 302996 1, 452; 20157, 20263; 78831, 78964; 112655, 112728; 117209, 117255; 117258, 117330; 172729, 172877; 280641, 280705; 291837, 292038; 292956, 293096; 293926, 294001; 295025, 295207; 296589, 296759; 296843, 297010; 297897, 298061; 300021, 300284; 302833, 305113

37965 214, 302996 1, 452; 20157, 20263; 78831, 78964; 112655, 112728; 117209, 117330; 172729, 172877; 280641, 280705; 291837, 292038; 292956, 293096; 293926, 294001; 295025, 295207; 296589, 296759; 296843, 297010; 297897, 298061; 300021, 300284; 302833, 305113

37966 214, 302996 1, 452; 20157, 20263; 78831, 78964; 112655, 112728; 117209, 117255; 117258, 117330; 172729, 172877; 280641, 280705; 291837, 292038; 292956, 293096; 293926, 294001; 295025, 295207; 296589, 296759; 296843, 297010; 297897, 298061; 300021, 300284; 302833, 305113

37966 214, 302996 1, 452; 20157, 20263; 78831, 78964; 112655, 112728; 117209, 117330; 172729, 172877; 280641, 280705; 291837, 292038; 292956, 293096; 293926, 294001; 295025, 295207; 296589, 296759; 296843, 297010; 297897, 298061; 300021, 300284; 302833, 305113

37967 105769, 107366 105740, 105932; 106022, 106181; 106376, 106475;
106596, 106773; 106996, 107691
37967 25039, 34655 1, 168; 24875, 25155; 31901, 31944; 32305, 32413; 34
565, 38244
37967 1641407, 1656204 1641371, 1641535; 1641736, 1641887; 1642087,
1642194; 1642832, 1642959; 1645424, 1645553; 1646468, 1646538; 1649560, 1649632; 1649733,
1649803; 1650868, 1650977; 1651401, 1651565; 1651647, 1651772; 1652793, 1652913; 1653397,
1653565; 1654257, 1654346; 1654877, 1654960; 1656152, 1656406
37967 186223, 189727 186, 223, 189, 726
37967 247431, 261126 218292, 218458; 243689, 243789; 247402, 247559;
247760, 247911; 248111, 248218; 248856, 248983; 251649, 251778; 252693, 252763; 255781, 255
853; 255954, 256024; 257089, 257198; 257682, 257786; 257868, 257993; 259019, 259139; 259623
, 259781; 261103, 261186; 262378, 262783
37967 243703, 262430 243703, 243732; 243738, 243789; 247402, 247559;
247760, 247911; 248111, 248218; 248856, 248983; 251649, 251778; 252693, 252763; 255781, 255
853; 255954, 256024; 257089, 257198; 257682, 257786; 257868, 257993; 259019, 259139; 259623
, 259762; 259765, 259781; 261103, 261186; 262378, 262783
37967 247431, 262430 247395, 247559; 247760, 247911; 248111, 248218;
248856, 248983; 251649, 251778; 252693, 252763; 255781, 255853; 255954, 256024; 257089, 257
198; 257622, 257786; 257868, 257993; 259019, 259139; 259623, 259791; 260483, 260572; 261103
, 261186; 262378, 262632
37968 128, 1422 1, 130; 352, 451; 743, 816; 1239, 1455
37969 86, 7614 1, 664; 1719, 1779; 1875, 1970; 2119, 2280; 2452, 2577; 29
64, 3184; 5401, 5444; 7287, 7369; 7573, 8361
37969 86, 7614 87, 664; 1719, 1779; 1875, 1970; 2119, 2280; 2452, 2577; 2
964, 3184; 5401, 5444; 7287, 7369; 7573, 8356
37970 24, 73326 1, 59; 1627, 1809; 3511, 3636; 3776, 3904; 9009, 9134; 11
212, 11273; 14599, 14730; 19845, 20048; 21280, 21457; 25276, 25437; 30536, 30628; 33091, 3329
4; 34484, 34627; 36247, 36334; 38424, 38499; 40528, 40654; 40870, 41046; 44493, 44660; 45832,
46006; 47472, 47547; 50054, 50174; 53605, 53812; 57525, 57835; 60266, 60465; 61894, 62020; 63
875, 63976; 65649, 65795; 68427, 68585; 68664, 68830; 72686, 72880; 73217, 73325
37971 47, 1912 1, 82; 1648, 2284
37972 33843, 64475 1, 91; 13342, 13434; 33835, 34039; 34783, 34937; 425
56, 42717; 44211, 44360; 45806, 45895; 48958, 49090; 50278, 50366; 50537, 50752; 53140, 53273
; 56426, 56516; 58384, 58554; 59180, 59354; 60763, 60887; 61110, 61187; 63260, 63320; 64306, 6
4714
37972 31733, 64475 31687, 31877; 33835, 34039; 34783, 34937; 42556, 42
717; 44211, 44360; 45806, 45895; 48958, 49090; 50278, 50366; 50537, 50752; 53140, 53273; 5642
6, 56516; 58384, 58554; 59180, 59354; 60763, 60887; 61110, 61187; 63260, 63320; 64306, 64714
37973 2746, 39452 1, 55; 2735, 2866; 7591, 9198; 14588, 14708; 23475, 23
962; 25389, 25500; 29171, 29649; 32143, 32204; 38537, 38673; 39331, 39451
37973 7626, 38825 258, 380; 2735, 2866; 7591, 9198; 14588, 14708; 23475
, 23962; 25389, 25500; 29171, 29387; 29544, 29649; 32143, 32204; 38537, 38824
37973 2746, 39452 258, 380; 2735, 2866; 7591, 9198; 14588, 14708; 23475
, 23962; 25389, 25500; 29171, 29649; 32143, 32204; 38537, 38673; 39331, 39451; 42668, 42923
37973 2746, 39452 327, 380; 2735, 2866; 7591, 9198; 14588, 14708; 23475
, 23962; 25389, 25500; 29171, 29649; 32143, 32204; 38537, 38673; 39331, 39451; 42264, 42477; 4
2668, 42923
37974 8539, 62577 1, 124; 8457, 8622; 23236, 23320; 46373, 46450; 56371
, 56492; 59759, 59866; 62520, 62720; 63167, 63263; 63400, 63433; 64286, 64400; 67789, 67953; 6

9028,69132;69558,69751
 37975 14211,14568 1,421,114,567
 37975 4471,5054 1,64;4471,4605;4976,5053
 37976 4612,5943 1,293;1006,1053;4349,4481;4583,4864;5719,6289
 37977 35,43673 1,79;33609,33873;40093,40242;42501,44002
 37978 429,4440 1,129;321,482;1727,1902;2007,2094;2212,2358;247
 3,2658;3750,3890;4278,4512
 37978 429,4440 1,129;381,482;1727,1902;2007,2094;2212,2358;247
 3,2658;3750,3890;4278,4512
 37979 33,21928 1,164;2439,2573;6042,6152;7612,7788;10970,11152
 ;13587,13752;15510,15713;17185,17312;19165,19318;21785,22149
 37979 33,21928 1,164;2439,2573;6042,6152;7612,7788;10970,11152
 ;13587,13752;15510,15713;17185,17312;19165,19318;21785,22152
 37980 91,92591 1,320;28204,28325;39136,39235;40914,41048;43218
 ,43271;47869,48013;55561,55661;58760,58894;61820,61906;67672,67741;72670,72802;7
 4704,74813;74975,75134;91370,91506;92479,93609
 37980 91,92591 1,320;28204,28325;39136,39235;40914,41048;43218
 ,43271;47869,48013;55561,55661;58769,58894;61820,61906;67672,67741;72670,72802;7
 4704,74813;74975,75134;91370,91506;92479,93609
 37980 93,92591 93,137;143,320;28204,28325;39136,39235;40914,41
 048;43218,43271;47869,48013;55561,55667;58769,58894;61820,61906;67672,67741;7267
 0,72802;74704,74813;74975,75134;91370,91506;92479,93150
 37981 0,91949 1,111;47550,47584;61580,61658;62639,62774;81718,
 81809;82008,82065;83827,83995;85362,85710;87451,87593;88642,88888;91893,92049
 37981 18869,91426 18869,19021;61580,61658;62639,62774;81718,81
 809;82008,82065;83827,83995;85362,85710;87451,87593;88642,88888;91244,92061
 37981 18904,91426 18875,19021;47550,47584;61580,61658;62639,62
 774;81718,81809;82008,82065;83827,83995;85362,85710;87451,87593;88642,88888;9124
 4,92061
 37981 18989,91426 18875,19021;61580,61658;62639,62774;81718,81
 809;82008,82065;83827,83995;85362,85710;87451,87593;88642,88888;91244,92061
 37982 451,91459 1,98;442,607;31663,31896;57592,57726;69550,697
 75;69881,69983;72330,72437;75662,75796;76793,76842;78096,78220;86166,86272;86397
 ,86618;89985,90005;90554,90678;91305,91531
 37982 451,92643 27,98;442,607;31663,31896;57592,57726;69550,69
 775;69881,69983;72330,72437;75662,75796;76793,76842;78096,78220;86166,86272;8639
 7,86618;90554,90678;91305,91446;92469,93744
 37983 79,6138 1,310;879,1029;4186,4279;5385,5483;5737,5859;598
 8,6373
 37984 366,6430 10,175;367,447;1037,1091;3457,3543;4292,4369;63
 60,6618
 37984 366,6430 1,175;367,447;1037,1091;3457,3543;4292,4369;636
 0,6617
 37985 162,20197 1,184;1080,1229;1374,1487;1806,1847;2206,2225;
 2656,2730;4490,4599;6328,6407;12446,12480;17263,17345;18578,18671;20078,20523
 37985 162,20197 157,184;1374,1487;2206,2225;2656,2730;4490,459
 9;6328,6407;12446,12480;17263,17345;18578,18671;20078,20307
 37985 162,17341 163,184;1080,1229;1374,1487;1806,1847;2206,222
 5;2656,2730;4490,4599;17263,17341
 37985 162,20197 163,184;198,202;6362,6407;12446,12480;17263,17

345;18578,18671;20078,20197

37985 162,20197 61,184;1080,1229;1374,1487;1806,1847;2206,2225
;2656,2730;4490,4599;6328,6407;12446,12480;17263,17345;18578,18671;20078,20524

37986 789,44908 1,199;763,1001;6934,7071;10592,10675;40884,409
76;42273,42417;43406,43562;44685,46265

37986 789,44908 289,501;763,1001;6934,7071;10592,10675;40884,4
0976;42273,42417;43406,43562;44685,46265

37987 41,895651 1,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8854;19
313,19527;22572,22680;22848,23051;895606,895651

37987 41,513615 42,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8759;9
628,9743;19313,19527;22572,22680;22848,23051;513576,513615

37987 41,647322 42,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8759;9
628,9743;19313,19527;22572,22680;22848,23051;647310,647322

37987 41,821200 42,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8759;9
628,9743;19313,19527;22572,22680;22848,23051;821191,821200

37987 47,641523 48,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8800;9
663,9743;19313,19527;22572,22680;22848,23051;641484,641523

37987 498430,505344 498181,498442;498542,498608;498929,498997;
499085,499221;499511,499666;499756,499830;499937,500011;500658,500906;500984,501
073;502830,502970;503052,503145;504753,504912;505036,505117;505210,505766

37987 498430,505344 498181,498442;498542,498608;498929,498997;
499085,499221;499756,499830;499937,500011;500658,500906;500984,501073;502830,502
970;503052,503145;504753,504912;505036,505117;505210,505766

37987 498430,505344 498181,498608;498929,498997;499085,499221;
499511,499666;499756,499830;499937,500011;500658,500906;500984,501073;502830,502
970;503052,503145;504753,504912;505036,505117;505210,505766

37987 498430,505344 498431,498608;498929,498997;499085,499221;
499511,499666;499756,499830;499937,500011;500658,500906;500984,501073;502830,502
970;503052,503145;504753,504912;505036,505117;505210,505766

37988 40,157458 11,114;699,794;4558,4603;22073,22174;23069,231
59;157376,159177;159524,159703

37988 40,157458 11,114;699,794;4558,4603;22073,22174;23069,231
59;157376,159180

37988 4576,118138 1,114;699,794;4562,4603;22073,22174;23069,23
159;117555,117684;118039,118137

37989 1,202615 1,209;873,1006;31734,31834;35645,35768;40989,41
050;42135,42180;47023,47148;48125,48169;58850,58893;60717,60773;64366,64418;7272
1,72926;75551,75742;103213,103258;106005,106112;111482,111537;111941,112095;1133
50,113487;113981,114048;115417,115564;122473,122565;127468,127547;133108,133188;
144178,144283;147403,147561;161570,161698;171204,171317;188621,188722;200360,200
482;202528,202683

37990 1090,13959 1,74;1079,1185;4925,5076;5167,5197;5677,5706;
5711,5755;5761,5795;6456,6534;6539,6596;6696,6732;7770,7779;7785,7831;7975,8071;
8076,8209;9354,9534;13412,13532;13620,13735;13872,14204

37990 1090,6503 1,74;1079,1185;4925,5076;5167,5197;5677,5795;6
182,6196;6454,6592;6696,6732;7770,7831;7975,8209;9354,9534;13412,13532;13620,137
35;13872,14208

37990 1090,7106 1,74;1079,1185;4925,5076;5167,5197;5677,5795;6
456,6592;6696,6732;7009,7356

37990 1090,13959 1,74;1079,1185;4925,5076;5167,5197;5677,5795;

6456,6592;6696,6732;7770,7831;7975,8209;9354,9534;13412,13532;13620,13735;13872,
14208

37990 1090,13959 1,74;1079,1185;4925,5076;5167,5197;6182,6196;
6454,6592;6696,6732;7770,7831;7975,8209;9354,9534;13412,13532;13620,13735;13872,
14208

37990 1090,13959 1,74;1079,1185;4925,5076;5167,5197;6182,6198;
6456,6592;6696,6732;7770,7831;7975,8209;9354,9534;13412,13532;13620,13735;13872,
14208

37990 1090,6503 19,74;1079,1185;4925,5076;5167,5197;5677,5795;
6182,6198;6456,6592;6696,6732;7770,7831;7975,8209;9354,9534;13412,13532;13620,13
735;13872,14208

37991 11,3530 1,125;602,675;1698,1796;2044,2125;2983,3069;3417
,3529;3680,3730

37991 89,3686 1,125;602,675;1698,1796;2044,2125;2983,3069;3417
,3529;3680,3730

37991 89,3530 89,125;602,675;1698,1796;2044,2125;2983,3069;341
7,3726

37992 95,14084 1,265;445,538;3121,3178;5125,5204;5492,5534;774
2,7840;9264,9344;10430,10620;10789,10968;11249,11304;11420,11565;14008,14414

37992 158,7801 27,265;445,538;3121,3178;5125,5204;7742,7840;92
64,9344;10430,10968;11249,11304;11420,11565;14008,14414

37992 95,14084 53,265;445,538;3121,3178;5125,5204;5492,5534;92
64,9344;10430,10620;11249,11304;11420,11565;14008,14419

37992 95,14084 6,265;445,538;3121,3178;5125,5204;5492,5534;774
2,7840;9264,9344;10430,10620;10789,10968;11249,11304;11420,11565;14008,14414

37993 2462,8182 1,100;1681,1747;2456,2536;2872,2913;3280,3385;
3595,3715;3898,3960;4933,4993;5195,5281;5801,5857;6035,6138;6617,6661;6963,7014;
7273,7320;7538,7573;7739,7790;8015,9013

37993 2462,8182 1,100;1681,1747;2456,2536;3280,3385;3595,3715;
3898,3960;4933,4993;5195,5281;5801,5857;6035,6138;6617,6661;6963,7014;7273,7320;
7538,7573;7739,7790;8015,9013

37993 2462,8182 1,100;2456,2536;2872,2913;3280,3385;3595,3715;
3898,3960;4933,4993;5195,5281;5801,5857;6035,6138;6617,6661;6963,7014;7273,7320;
7538,7573;7739,7790;8015,9013

37993 2462,8182 1,100;2456,2536;3280,3385;3595,3715;3898,3960;
4933,4993;5195,5281;5801,5857;6035,6138;6617,6661;6963,7014;7273,7320;7538,7573;
7739,7790;8015,9013

37993 2450,8182 2450,2536;3280,3385;3595,3715;3898,3960;4933,4
993;5801,5857;6035,6138;6617,6661;6963,7014;7273,7320;7538,7573;7739,7790;8015,8
966

37993 2466,8182 2466,2528;2534,2536;3280,3385;3595,3715;3898,3
960;4933,4993;5195,5281;5801,5857;6035,6138;6617,6661;6963,7014;7273,7320;7538,7
573;7739,7790;8015,9013

37993 2462,8182 672,748;1681,1747;2456,2536;2872,2913;3280,338
5;3595,3715;3898,3960;4933,4993;5195,5281;5801,5857;6035,6138;6617,6661;6963,701
4;7273,7320;7538,7573;7739,7790;8015,9013

37993 2462,8182 672,748;1681,1747;2456,2536;3280,3385;3595,371
5;3898,3960;4933,4993;5195,5281;5801,5857;6035,6138;6617,6661;6963,7014;7273,732
0;7538,7573;7739,7790;8015,9013

37993 2462,8182 672,748;2456,2536;2872,2913;3280,3385;3595,371

5;3898,3960;4933,4993;5195,5281;5801,5857;6035,6138;6617,6661;6963,7014;7273,7320;7538,7573;7739,7790;8015,9013
 37993 2462,8182 672,748;2456,2536;3280,3385;3595,3715;3898,3960;4933,4993;5195,5281;5801,5857;6035,6138;6617,6661;6963,7014;7273,7320;7538,7573;7739,7790;8015,9013
 37994 53,446 1,534
 37994 1589,2000 15,542,060
 37994 1589,2000 15,902,000
 37994 217287,294347 216742,217380;218060,218194;221606,221666;225684,225763;226367,226435;226545,226682;227120,227230;230797,230931;231339,231452;232173,232340;241404,241562;241769,241876;242996,243117;259984,260115;294260,294877
 37994 217287,294347 217236,217380;218060,218194;221606,221666;225684,225763;226367,226435;226545,226682;227120,227230;230797,230931;231339,231452;232173,232340;241404,241562;241769,241876;242996,243117;259984,260115;294260,294877
 37994 299139,309091 299140,299349;300475,300621;305633,305773;306478,306582;308387,309201
 37994 299820,309091 299543,299850;300475,300621;305633,305773;306478,306582;306952,307053;308387,309176
 37994 299820,309091 299543,299850;300475,300621;305633,305773;306478,306582;306952,307053;308387,309196
 37994 35897,36287 3,589,836,334
 37994 407896,414432 407542,407951;409919,409939;411231,411410;411930,412072;412297,412392;412576,412642;412814,412971;413071,413191;413431,413451;413566,413650;414366,414834
 37994 407896,414432 407591,407951;409919,409939;411231,411410;411930,412072;412297,412392;412576,412642;412814,412971;413071,413191;413431,413451;413566,413650;414366,414849
 37994 422593,429522 422571,422639;423863,423946;425523,425581;426303,426413;429427,429525;430619,430694
 37994 422593,429522 422571,422639;423863,423946;425523,425581;426303,426413;429427,429525;430619,430700
 37994 48985,49399 48548,48598;48936,49720
 37994 48985,49399 48574,48598;48936,49718
 37995 54,447 1,534
 37995 54,447 54,446
 37996 168,53900 1,182;6416,6487;7290,7378;11747,11852;29628,29687;31414,31505;34368,34402;35227,35306;35913,36012;37836,37960;40586,40690;43698,43824;48951,49132;53750,54107
 37997 167,53906 1,182;6416,6487;7290,7378;11747,11852;29628,29687;31414,31505;34368,34402;35227,35306;35913,36012;37836,37960;40586,40690;43698,43824;48950,49131;53757,54114
 37998 168,53900 1,182;6416,6487;7290,7378;11747,11852;29628,29687;31414,31505;34368,34402;35227,35306;35913,36012;37836,37960;40586,40690;43698,43824;48951,49132;53750,54107
 37999 167,53906 1,182;6416,6487;7290,7378;11747,11852;29628,29687;31414,31505;34368,34402;35227,35306;35913,36012;37836,37960;40586,40690;43698,43824;48950,49131;53757,54114
 38000 464,3880 1,144;457,566;881,992;2181,2374;2486,2558;2694,

2840;3082,3199;3694,4159

38000 464,2319 4,144;457,566;881,992;2181,2293;2296,2374;2486,
2555;2692,2840;3082,3199;3694,4160

38001 496,53510 1,226;257,535;3372,3485;3684,3757;8344,8424;99
87,10063;11109,11218;18014,18123;20136,20235;29541,29676;30499,30581;31648,31798
;33408,33474;34490,34565;36421,36503;37173,37312;37893,37978;38095,38233;44402,4
4564;44675,44821;45921,46110;46228,46323;47517,47605;47807,47930;48809,48898;490
73,49182;50203,50280;50432,50500;51046,51182;51468,51654;51737,51847;52170,52331
;52980,53174;53450,54394

38001 496,53510 252,535;3372,3485;3684,3757;8344,8424;9987,100
63;11109,11218;18014,18123;20136,20235;29541,29676;30499,30581;31648,31798;33408
,33474;34490,34565;36421,36503;37173,37312;37893,37978;38095,38233;44402,44564;4
4675,44821;45921,46110;46228,46323;47517,47605;47807,47930;48809,48898;49073,491
82;50203,50280;50432,50500;51046,51182;51468,51654;51737,51847;52170,52331;52980
,53174;53450,54393

38002 523,12021 1,914;1707,1901;7771,7924;9566,9762;11762,1217
9

38002 523,12021 523,914;1707,1901;7771,7924;9566,9762;11762,12
020

38003 51,20484 1,116;249,447;662,863;1073,1143;1222,1310;1529,
1611;1782,1878;2017,2122;2220,2352;9136,9251;9351,9530;9676,9858;9991,10176;1033
0,10488;10740,10866;11034,11108;11369,11566;11658,11769;11860,11930;12189,12328;
12442,12651;12896,12947;13049,13138;13274,13483;13663,13738;13899,14055;14151,14
267;14373,14544;14773,15005;15088,15255;15649,15708;16758,16851;16949,16962;1697
2,17135;17250,17340;17431,17505;18997,19099;19265,19354;19440,19538;19721,19804;
20067,20199;20343,20624

38003 51,20484 52,116;249,447;662,863;1073,1143;1222,1310;1529
,1611;1782,1878;2017,2122;2220,2352;9136,9251;9351,9530;9676,9858;9991,10176;103
30,10488;10740,10866;11034,11108;11369,11566;11658,11769;11860,11930;12189,12328
;12442,12651;12896,12947;13049,13138;13274,13483;13663,13738;13899,14055;14151,1
4267;14373,14544;14773,15005;15088,15255;15649,15708;16758,16851;16955,17135;172
50,17340;17431,17505;18997,19099;19265,19354;19440,19538;19721,19804;20067,20199
;20343,20624

38004 128,67157 128,362;22983,23164;27392,27506;33328,33425;35
625,35728;40157,40350;40579,40744;43884,44035;45484,45657;48698,48803;51652,5176
7;54706,54831;61230,61347;64383,64511;65803,65975;67056,67175

38004 335,67157 1,362;22983,23164;27392,27506;33328,33425;3562
5,35728;40157,40350;40579,40744;43884,44035;45484,45657;48698,48803;51652,51767;
54706,54831;61230,61345;64381,64511;65803,65975;67056,67197

38005 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;39034,39126;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;
49688,49816;53277,53384;53844,53867;54927,55034;56046,56135;56377,56487;56767,56
868;58656,59256

38005 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;39034,39126;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;
53277,53384;53844,53867;54927,55034;56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59
256

38005 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;39034,39126;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;
54927,55034;56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59256

38005 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;46649,46693;48134,48278;
49688,49816;56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59257

38005 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;46649,46693;48134,48278;
56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59256

38005 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;49688,49816;
54927,55034;56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59256

38005 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;49688,49816;
56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59258

38005 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;54927,55034;
56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59256

38005 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;56046,56135;
56377,56487;56767,56868;58656,59256

38005 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;56377,56487;
56767,56868;58656,59256

38005 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;56377,56487;
56767,56868;58656,59258

38006 159,105072 1,182;26450,26924;53256,53340;61889,61939;620
69,62159;70663,70797;72665,72770;73377,73450;80987,81147;87637,87770;89374,89545
;96432,96571;102155,102192;104892,105407

38006 26450,99128 1,182;26450,26924;53256,53340;61889,61939;62
069,62159;70663,70797;72665,72770;73377,73450;80987,81147;87637,87770;89374,8954
5;96432,96571;99057,99151

38006 159,99128 1,182;26450,26924;53256,53340;61889,61939;6206
9,62159;70663,70797;72665,72770;73377,73450;80987,81147;87637,87770;89374,89545;
96432,96571;99057,99152

38006 26450,105072 159,182;26450,26924;53256,53340;61889,61939
;62069,62159;70663,70797;72665,72770;73377,73450;80987,81147;87637,87770;89374,8
9545;96432,96571;102155,102192;104892,105071

38007 351,73202 1,497;19023,19070;42527,42648;48138,48301;5529
0,55549;60992,61116;61292,61379;63262,63832;66381,66444;70798,70969;72942,72986;
73085,74673

38007 351,73202 1,497;19023,19070;42527,42648;48138,48301;5529
0,55549;60992,61116;61292,61379;63262,63832;66381,66444;70798,70969;72942,72986;
73085,74675

38008 305,38348 1,453;1019,1077;33352,33516;33826,33921;38193,
39546

38008 311,38348 1,453;1019,1077;33352,33516;33826,33921;38193,
39546

38009 23,404 1,412;8792,9522

38009 23,404 23,460

38010 19,331 1,374

38010 19,331 20,375

38011 1,367934 1,167;366553,367933

38011 259451,582366 258508,259628;322478,322569;363414,363497;
376981,377076;382699,382847;415997,416090;429074,429274;430896,431144;433609,433
688;436891,437057;447402,447524;456696,456829;463720,463962;464211,464321;475394
,475641;484642,484747;495616,495740;502269,502374;502621,502769;504334,504425;50
6780,506856;528623,528706;536397,536502;541026,541162;541839,541978;543218,54329
9;545119,545335;546163,546225;547383,547976;550481,550578;553286,553370;559583,5
59706;560436,560553;571522,571639;581653,581810;582234,584281

38011 259451,582366 258508,259628;322478,322569;363414,363497;
376981,377076;382699,382847;415997,416090;429074,429274;430896,431144;433609,433
688;436891,437057;447402,447524;456696,456829;464211,464321;475394,475641;484642
,484747;495616,495740;502269,502374;502621,502769;504334,504425;506780,506856;52
8623,528706;536397,536502;541026,541162;541839,541978;543218,543299;545119,54533
5;546163,546225;547383,547976;550481,550578;553286,553370;559583,559706;560436,5
60553;571522,571639;581653,581810;582234,584281

38012 55,448 1,564

38013 49663,130249 1,121;49655,49756;83636,83744;92482,92594;1
00993,101214;102753,102910;108163,108337;130094,130326

38013 49663,130249 18,256;49655,49756;83636,83744;92482,92594;
100993,101214;102753,102910;108163,108337;130094,131939

38013 49663,130249 49664,49756;83636,83744;90783,90878;92482,9
2594;100993,101214;102753,102910;108163,108337;130094,130249

38014 113,2179 113,203;390,424;470,590;721,813;1952,3087

38014 113,2179 1,263;390,590;1952,3090

38014 113,2179 1,263;390,590;721,813;1952,3090

38014 113,2179 39,203;396,424;467,590;721,813;1952,3087

38014 113,737 39,263;390,543;721,813;1952,3087

38014 113,2179 39,263;390,590;1952,3087

38014 113,2179 39,263;390,590;721,813;1952,3087

38014 113,317 39,590;1952,3087

38015 39630,44708 10,204;2094,2196;4552,4641;15610,15851;17933
,18072;21081,21183;22287,22412;23508,23670;24067,24240;36252,36376;38262,38364;3
9607,39717;40584,40595;40597,40635;40637,40693;40696,40725;40728,40940;42098,421
99;42204,42213;44583,44599;44601,44627;44630,44656;44661,44739;45398,45564;46090
,46167;48491,49362

38015 21,28514 1,204;2094,2196;4552,4641;15610,15851;17933,180
72;21081,21183;22287,22412;23508,23670;24067,24240;28369,29324

38015 21,48697 1,204;2094,2196;4552,4641;15610,15851;17933,180
72;21081,21183;22287,22412;23508,23670;24067,24240;36252,36376;38262,38364;39607
,39717;42098,42213;44583,44739;45398,45564;46090,46167;48491,49369

38015 48916,49346 2126,2196;4552,4641;15610,15851;17933,18072;
21081,21183;22287,22412;23508,23670;24067,24240;36252,36376;38262,38364;39607,39
717;42098,42213;44583,44739;45398,45564;46090,46167;48491,48967;48972,49181;4918
6,49245;49248,49362

38016 16233,204422 1,161;12059,12128;15976,16854;133346,133454
;143036,143151;143396,143477;145883,146015;148775,149360;149365,149397;149400,14
9706;150692,150813;152600,152715;155163,155304;158456,158617;162395,162488;19395
8,194189;194502,194661;195257,195607;198334,198625;201865,205998

38016 16233,204422 1,161;12059,12128;15976,16854;133346,133454
;143036,143151;143396,143477;145883,146015;148775,149706;150692,150813;152600,15

2715;155163,155304;158456,158617;162395,162488;193958,194189;194502,194661;195257,195607;198334,198625;201865,205998

38016 16233,204422 12076,12128;15976,16854;133346,133454;143036,143151;143396,143477;145883,146015;148775,149706;150692,150813;152600,152715;155163,155304;158456,158617;162395,162488;193958,194189;194502,194661;195257,195607;198334,198625;201865,204422

38017 10795,64913 1,139;10762,10966;29746,29852;30285,30482;39284,39391;46843,46942;53831,53920;56454,56628;64747,65507

38017 10795,64913 4,102;10762,10966;29746,29852;30285,30482;39281,39391;46843,46942;53831,53920;56454,56628;64747,64960

38017 10795,64913 659,826;10762,10966;29746,29852;30285,30482;39281,39391;46843,46942;53831,53920;56454,56628;64747,65507

38017 10795,64913 675,826;10762,10966;29746,29852;30285,30482;39281,39391;46843,46942;53831,53920;56454,56628;64747,65507

38017 10795,64913 675,826;10762,10966;29746,29852;30285,30482;39281,39391;48975,49065;53831,53920;56454,56628;64747,65507

38018 10795,64913 1,139;10762,10966;29746,29852;30285,30482;39284,39391;46843,46942;53831,53920;56454,56628;64747,65507

38018 10795,64913 4,102;10762,10966;29746,29852;30285,30482;39281,39391;46843,46942;53831,53920;56454,56628;64747,64960

38018 10795,64913 659,826;10762,10966;29746,29852;30285,30482;39281,39391;46843,46942;53831,53920;56454,56628;64747,65507

38018 10795,64913 675,826;10762,10966;29746,29852;30285,30482;39281,39391;46843,46942;53831,53920;56454,56628;64747,65507

38018 10795,64913 675,826;10762,10966;29746,29852;30285,30482;39281,39391;48975,49065;53831,53920;56454,56628;64747,65507

38019 58912,62505 1,108;22387,22460;58887,59068;59496,59670;60272,60441;60935,61121;62351,63829

38019 58912,62434 21776,22460;58887,59068;59496,59670;60272,60441;62351,63829

38019 58912,62434 22406,22460;58887,59068;59496,59670;60272,60441;60935,61121;61723,61922;62351,63424

38020 17,10000 1,139;1718,1819;3808,3853;4388,4477;5555,5620;7093,7161;8360,8536;9279,9407;9920,11085

38020 17,10000 16,139;1718,1819;3808,3853;4388,4477;5555,5620;7093,7161;8360,8536;9279,9407;9920,11093

38021 10963,84526 10910,11007;21496,21619;52017,52114;52262,52404;61328,61516;80023,80179;84382,86085

38021 10963,84526 10910,11007;21496,21619;52017,52114;52262,52404;74579,74614;80023,80179;84382,86085

38021 10963,84526 10910,11007;21496,21619;52017,52114;52262,52404;80023,80179;84382,86085

38021 10963,84526 1,321;10910,11007;21496,21619;52017,52114;52262,52404;74579,74614;80023,80179;84382,86085

38021 21499,52457 1,321;21496,21619;52017,52114;52262,52974

38021 80036,84526 1,321;80023,80179;84382,86085

38021 80036,84931 1,321;80023,80179;84784,86085

38021 21499,84925 21500,21619;48981,49127;52017,52114;52262,52404;61328,61516;80023,80179;84784,84958

38021 40853,84931 40667,40931;52017,52114;52262,52404;61328,61

516;80023,80179;84784,86085

38021 40853,84931 40667,40931;52017,52114;52262,52404;80023,80179;84784,86085

38021 48830,84931 48724,48833;52017,52114;52262,52404;61328,61516;80023,80179;84784,86085

38021 48830,84931 48724,48833;52017,52114;52262,52404;80023,80179;84784,86085

38021 10963,84931 588,695;10910,11007;21496,21619;52017,52114;52262,52404;61328,61516;80023,80179;84784,86085

38021 21499,84931 588,695;10910,11007;21496,21619;52017,52114;52262,52404;80023,80179;84784,86085

38021 21499,84931 588,695;21496,21619;52017,52114;52262,52404;80023,80179;84784,86085

38021 68317,84526 68255,68342;74579,74614;80023,80179;84382,86085

38021 68317,84931 68255,68342;74579,74614;80023,80179;84784,86085

38021 68317,84526 68255,68342;80023,80179;84382,86085

38021 68317,84931 68255,68342;80023,80179;84784,86085

38021 68317,84526 68318,68342;74579,74614;80023,80179;84382,86085

38021 69190,84526 69030,69227;80023,80179;84382,86085

38021 69190,84931 69030,69227;80023,80179;84784,86085

38021 74607,84526 69030,69270;74579,74614;80023,80179;84382,86085

38021 80036,84526 69030,69270;80023,80179;84382,86085

38021 80036,84931 69030,69270;80023,80179;84784,86085

38021 69190,84526 69191,69227;80023,80179;84382,86085

38022 3,129099 1,100;3100,3131;4059,4422;6546,7391;82702,82775;129031,129098

38022 3974,118440 3974,4441;6517,7391;82702,82775;103716,103802;110902,110986;117731,118439

38022 6571,118200 6571,7366;117733,118199

38022 79127,80204 7,912,780,203

38023 1,394 1,393

38023 1,394 1,460

38023 1994,2405 32,385;1975,2490

38023 1994,2405 8,385;1975,2460

38024 12,41617 1,171;16572,16682;22118,22243;22787,22853;27502,27545;30078,30219;31173,31251;31730,31805;33915,34028;34227,34320;35686,35891;38663,38806;40329,40409;40860,40931;41567,42002

38024 12,41617 1,171;16572,16682;22118,22243;22787,22853;27502,27545;30078,30219;31173,31251;31730,31805;33915,34028;34227,34320;35686,35891;40329,40409;40860,40931;41567,42002

38024 12,41617 1,171;16572,16683;22116,22243;22787,22853;27502,27545;30078,30219;31173,31251;31730,31805;33915,34028;34227,34320;35686,35891;38663,38806;40329,40409;40860,40931;41567,42002

38024 12,41617 1,171;16572,16683;22116,22243;22787,22853;27502,27545;30078,30219;31173,31251;31730,31805;33915,34028;34227,34320;35686,35891;40329,40409;40860,40931;41567,42002

38024 12,41617 1,171;16572,16683;27502,27545;30078,30219;31173
,31251;31730,31805;33915,34028;34227,34320;35686,35891;38663,38806;40329,40409;4
0860,40931;41567,42002

38025 1882,2293 12,656

38025 18,411 8,476

38026 551,150068 1,693;40637,40779;64138,64254;120340,120483;1
47340,147427;148778,149077;150025,155492

38026 551,150068 1,693;40637,40779;64138,64254;120340,120483;1
47340,147427;148778,149077;150025,155500

38026 551,151329 1,693;40637,40779;64138,64254;120340,120483;1
47340,147427;148778,149077;151304,155500

38026 533,156068 1,693;40637,40779;64138,64254;120340,120483;1
47340,147427;148778,149077;152079,152153;156052,159195

38026 551,156068 1,693;40637,40779;64138,64254;120340,120483;1
47340,147427;148778,149077;152079,152153;156052,159218

38026 551,149103 1,693;40637,40779;64138,64254;120340,120483;1
47340,147427;148778,155500

38027 224,97932 1,408;8391,8492;76436,76518;79307,79447;86559,
93060;96256,96494;97777,99719

38027 224,97932 47,408;8391,8492;76436,76518;79307,79447;86559
,93060;96256,96494;97777,99719

38027 79315,97932 76185,76518;79307,79447;86559,93060;96256,96
494;97777,99719

38028 291,225876 1,1269;128153,128203;142653,142901;145322,145
458;160160,160266;174399,174609;175352,175425;186914,187062;187856,187993;188938
,189049;191198,191311;200043,200242;215259,215462;217421,217582;223722,223974;22
5677,227020

38029 110,788 1,822;1047,2028

38029 110,788 352,023

38030 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;39034,39126;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;
49688,49816;53277,53384;53844,53867;54927,55034;56046,56135;56377,56487;56767,56
868;58656,59256

38030 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;39034,39126;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;
53277,53384;53844,53867;54927,55034;56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59
256

38030 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;39034,39126;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;
54927,55034;56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59256

38030 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;46649,46693;48134,48278;
49688,49816;56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59257

38030 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;46649,46693;48134,48278;
56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59256

38030 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;49688,49816;
54927,55034;56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59256

38030 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719

9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;49688,49816;
56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59258

38030 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;54927,55034;
56046,56135;56377,56487;56767,56868;58656,59256

38030 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;56046,56135;
56377,56487;56767,56868;58656,59256

38030 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;56377,56487;
56767,56868;58656,59256

38030 346,58764 1,429;30583,30663;36473,36527;36642,36736;3719
9,37294;38258,38365;43271,43356;43643,43718;45092,45174;48134,48278;56377,56487;
56767,56868;58656,59258

38031 14104,17062 11129,11355;14084,14216;14300,14511;15496,15
550;15668,15828;16156,16239;16349,16523;16680,16879;16967,17263

38031 14104,17062 12573,12777;14084,14216;14300,14511;15496,15
550;15668,15828;16156,16239;16349,16523;16680,16879;16967,17263

38031 14104,17062 1,349;2022,2177;10579,11098;11274,11355;1408
4,14216;14300,14511;15496,15550;15668,15828;16156,16239;16349,16523;16680,16879;
16967,17263

38031 14104,17062 20,67;314,349;1634,1777;2022,2177;10579,1109
8;11274,11355;14084,14216;14300,14511;15496,15550;15668,15828;16156,16239;16349,
16523;16680,16879;16967,17263

38031 14104,17062 20,67;314,349;1634,1777;2022,2177;10579,1109
8;11274,11355;14084,14216;14300,14511;15496,15550;15668,15828;16156,16239;16349,
16523;16680,16879;16967,17264

38032 56,137847 1,179;32918,32995;35219,35284;83910,84061;8882
5,88909;93427,93658;95124,95283;99835,99973;100764,100877;103244,103300;104527,1
04595;107352,107441;111514,111623;115640,116210;118448,118564;128926,129073;1299
06,130023;131124,131283;132501,132620;133634,133720;134458,134620;137211,137296;
137815,137877;142031,142767

38032 56,142102 1,179;32918,32995;35219,35284;83910,84061;8882
5,88909;93427,93658;95124,95283;99835,99973;100764,100877;103244,103300;104527,1
04595;107352,107441;111514,111623;115640,116210;118448,118564;128926,129073;1299
06,130023;131124,131283;132501,132620;133634,133720;134458,134620;137211,137296;
142031,142764

38032 121868,142102 121868,125123;128926,129073;129906,130023;
131124,131283;132501,132620;133634,133720;134458,134620;137211,137296;142031,142
764

38032 125971,142781 125972,126309;142685,142781

38032 88873,142102 88874,88909;93427,93658;95124,95283;99835,9
9973;103244,103300;104527,104595;107352,107441;111514,111623;115640,116210;11844
8,118564;128926,129073;129906,130023;131124,131283;132501,132620;133634,133720;1
34458,134620;137211,137296;142031,142762

38033 380,69899 1,409;21088,21156;28369,28486;28886,29081;3944
0,39626;46231,46392;48348,48444;49673,49841;60988,61120;67970,68157;69883,71406

38033 380,69899 1,409;28369,28486;28886,29081;39440,39626;4623
1,46392;48348,48444;49673,49841;60988,61120;67970,68157;69883,71406

38033 28369,69899 1,409;28369,28486;28886,29081;39440,39626;46

231,46392;48348,48444;49673,49841;60988,61132;67970,68157;69883,71406
38033 2685,70086 2685,2711;21088,21156;28369,28486;28886,29081
;39440,39626;46231,46392;48348,48444;49673,49841;60988,61132;67970,68137;68139,6
8157;69883,71406
38033 2685,69899 2685,2711;21088,21156;28369,28486;28886,29081
;39440,39626;46231,46392;48348,48444;49673,49841;60988,61132;67970,68157;69883,7
1406
38033 39555,68022 281,409;28369,28486;28886,29081;39440,39626;
46231,46392;48348,48444;49673,49841;67970,68157;69883,71221
38033 48405,69899 307,409;21088,21156;28369,28486;28886,29081;
39440,39626;46231,46392;48348,48444;49673,49841;60988,61132;67970,68157;69883,71
221
38034 421,41685 1,444;3387,3499;4989,5136;7881,7970;9520,9573;
11654,11704;15064,15168;15600,15653;16145,16237;16318,16389;17668,17757;18052,18
213;18729,18795;39340,39445;40426,40534;41605,44628
38034 358,41685 51,444;3387,3499;4989,5029;5032,5136;7881,7970
;9520,9573;11654,11704;15064,15168;15600,15653;16145,16237;16318,16389;17668,177
57;18052,18213;18729,18795;39340,39445;40426,40534;41605,44628
38035 32059,84314 1,168;32040,32254;38042,38204;40659,40810;50
157,50237;50726,50875;54330,54473;54579,54677;55405,55581;60910,61161;63889,6399
0;64661,64750;71030,71186;82157,82255;82785,82818;84314,86203
38035 32059,84666 1,168;32040,32254;38042,38204;40659,40810;50
157,50237;50726,50875;54330,54473;54579,54677;55405,55581;60910,61161;63889,6399
0;64661,64750;71030,71186;82157,82255;84314,86203
38035 32059,84314 1,168;32040,32254;38042,38204;40659,40810;50
157,50237;50726,50875;54330,54473;54579,54677;55405,55581;60910,61254;63889,6399
0;64661,64750;71030,71186;82157,82255;82785,82818;84314,86205
38035 32059,84666 1,168;32040,32254;38042,38204;40659,40810;50
157,50237;50726,50875;54330,54473;54579,54677;55405,55581;60910,61254;63889,6399
0;64661,64750;71030,71186;82157,82255;84314,86203
38035 32059,84666 1,168;32040,32254;38042,38204;40659,40810;50
157,50237;50726,50875;54330,54473;54579,54677;55405,55581;60910,61254;63889,6399
0;64661,64750;71030,71186;82157,82255;84314,86205
38035 32059,84314 294,978;24116,24273;32040,32254;38042,38204;
40659,40810;50157,50237;50726,50875;54330,54473;54579,54677;55405,55581;60910,61
254;63889,63990;64661,64750;71030,71186;82157,82255;82785,82818;84314,86200
38035 65472,82819 65473,65577;71030,71186;82157,82255;82785,82
819
38036 35232,58203 1,127;35196,35472;38353,38428;39059,39106;56
308,56465;57502,57615;57859,58019;58119,58867
38036 35232,58196 2,127;6089,6114;35196,35472;38353,38428;3905
9,39106;56308,56465;57502,57615;57859,58019;58119,58869
38036 35232,58196 2,127;6089,6114;35196,35472;38353,38467;3905
9,39106;56308,56465;57502,57615;57859,58019;58119,58869
38036 35232,58203 35232,35347;39059,39106;56308,56465;57502,57
615;57859,58019;58119,58867
38036 35232,58191 3909,6824;35196,35472;38353,38428;39059,3910
6;56308,56465;57502,57615;57859,58019;58119,58869
38037 107,42465 1,325;2805,2982;5854,5909;6448,6518;8093,8198;
9702,9833;12715,12825;13625,13689;16657,16707;17151,17343;19541,19685;20326,2052

6;21032,21078;23031,23186;25263,25371;25875,26036;29758,29928;31597,31656;35550,
35758;38387,38548;39798,40010;42342,44909

38037 107,42465 95,325;2805,2982;5854,5909;6448,6518;8093,8198
;9702,9833;12715,12825;13625,13689;16657,16707;17151,17343;19541,19685;20326,205
26;21032,21078;23031,23186;25263,25371;25875,26036;29758,29928;31597,31656;35550
,35758;38387,38548;39798,40010;42342,42756

38038 3317,25714 1,56;3201,3689;6472,6720;6824,6921;7018,7165;
7712,7830;7923,8000;8092,8254;8338,8538;9076,9213;9303,9426;9605,9741;9843,10036
;10190,10303;10397,10540;11778,11901;11984,12144;12230,12320;12414,12583;12775,1
2892;12992,13254;13975,14572;14657,14830;14916,15078;15156,15316;15408,15578;159
94,16117;16207,16363;16939,17128;17288,17311;19490,19737;19851,19946;20079,20181
;20271,20411;20519,20647;20835,21008;21105,21266;21358,21561;21638,21790;21887,2
2009;22115,22381;22541,22678;22866,22981;23521,23653;24355,24531;24695,24913;249
97,25200;25526,25965

38038 3281,25714 1,56;3201,3689;6472,6720;6824,6921;7018,7165;
7712,7830;7923,8000;8092,8254;8338,8538;9076,9213;9303,9426;9605,9741;9843,10036
;10190,10303;10397,10540;11778,11901;11984,12144;12230,12320;12414,12583;12775,1
2892;12992,13254;13975,14572;14657,14830;14916,15078;15156,15316;15408,15578;159
94,16117;16207,16363;16939,17128;19490,19737;19851,19946;20079,20181;20271,20411
;20519,20647;20835,21008;21105,21266;21358,21561;21638,21794;21891,22009;22115,2
2381;22541,22678;22866,22981;23521,23653;24355,24531;24695,24913;24997,25200;255
26,25965

38038 3317,25714 3279,3689;6472,6720;6824,6921;7018,7165;7712,
7830;7923,8000;8092,8254;8338,8538;9076,9213;9303,9426;9605,9741;9843,10036;1019
0,10303;10397,10540;11778,11901;11984,12144;12230,12320;12414,12583;12775,12892;
12992,13254;13975,14572;14657,14830;14916,15078;15156,15316;15408,15578;15994,16
117;16207,16363;16939,17128;17288,17311;19490,19737;19851,19946;20079,20181;2027
1,20411;20519,20647;20835,21008;21105,21266;21358,21561;21638,21794;21891,22009;
22115,22381;22541,22678;22866,22981;23521,23653;24355,24531;24695,24913;24997,25
200;25526,26033

38039 10417,21803 1,75;10368,10443;10712,10838;11172,11267;197
97,22614

38039 10417,21803 1,75;10368,10443;10712,10838;11172,11267;197
97,22618

38039 10417,21803 9895,10443;10712,10838;11172,11267;19797,218
02

38040 215,335734 1,245;4270,4338;37462,37521;96037,96237;18813
4,191348;200754,200838;301514,301645;303269,303384;335704,336397

38040 4323,335734 1,245;4270,4338;37462,37521;96037,96237;1881
34,191348;200754,200838;301514,301645;303269,303384;335704,336397

38041 45,19882 1,250;829,993;4759,4885;9690,9780;19871,20043;2
0194,20256;21019,21085;23221,23511

38041 45,26091 45,250;829,993;4759,4885;9690,9780;15183,15259;
19871,20043;20194,20256;21019,21085;22205,22233;26009,26090

38042 56,137847 1,179;32918,32995;35219,35284;83910,84061;8882
5,88909;93427,93658;95124,95283;99835,99973;100764,100877;103244,103300;104527,1
04595;107352,107441;111514,111623;115640,116210;118448,118564;128926,129073;1299
06,130023;131124,131283;132501,132620;133634,133720;134458,134620;137211,137296;
137815,137877;142031,142767

38042 56,142102 1,179;32918,32995;35219,35284;83910,84061;8882

5,88909;93427,93658;95124,95283;99835,99973;100764,100877;103244,103300;104527,104595;107352,107441;111514,111623;115640,116210;118448,118564;128926,129073;129906,130023;131124,131283;132501,132620;133634,133720;134458,134620;137211,137296;142031,142764

38042 121868,142102 121868,125123;128926,129073;129906,130023;131124,131283;132501,132620;133634,133720;134458,134620;137211,137296;142031,142764

38042 125971,142781 125972,126309;142685,142781

38042 88873,142102 88874,88909;93427,93658;95124,95283;99835,99973;103244,103300;104527,104595;107352,107441;111514,111623;115640,116210;118448,118564;128926,129073;129906,130023;131124,131283;132501,132620;133634,133720;134458,134620;137211,137296;142031,142762

38043 15,29344 1,59;4380,4634;18022,18291;22347,22574;24212,24292;28600,30557

38044 16,112847 1,18;30353,30443;34052,34164;35289,35486;41475,41634;44799,44876;54857,55310;58599,58725;65181,65290;76060,76168;77451,77543;78981,79050;85536,85695;89622,89714;93922,94066;98334,98480;99378,99567;103707,103862;104887,105001;105170,105341;106677,106838;109439,109537;109696,109926;112745,113405

38044 16,112847 4,18;30353,30443;34052,34164;35289,35486;41475,41634;44799,44876;54857,55310;58599,58725;65181,65290;76060,76168;77451,77543;78981,79050;85536,85695;89622,89714;93922,94066;98334,98480;99378,99567;103707,103862;104887,105001;105170,105341;106677,106838;109439,109537;109696,109926;112745,113405

38045 282,1130 12,175

38046 167,88082 1,258;25793,25864;31636,31755;38024,38143;39618,39869;50293,50412;52453,52656;70128,70219;73163,73273;74560,74683;75040,75149;75621,75723;78260,78324;78482,78575;79519,79638;80913,81027;82792,82931;86173,86309;86917,86997;87951,88238

38046 167,108658 13,258;25793,25864;31636,31755;38024,38143;39618,39869;45397,45525;50293,50412;52453,52650;70128,70219;73163,73273;74560,74683;75040,75149;75621,75723;78260,78324;78482,78575;79519,79638;80913,81027;82792,82931;86173,86309;86917,86997;87951,88078;90807,90921;91579,91780;92670,92779;92860,92940;95205,95328;95611,95732;95858,95969;97018,97127;97975,98105;98621,98789;99259,99429;101758,101819;102784,102841;104894,104968;106749,106923;107596,107719;108406,109723

38046 167,90954 13,258;25793,25864;31636,31755;38024,38143;39618,39869;45397,45525;50293,50412;52453,52650;70128,70219;73163,73273;74560,74683;75040,75149;75621,75723;78260,78324;78482,78575;79519,79638;80913,81027;82792,82931;86173,86309;86917,86997;87951,88078;90807,91145

38046 167,88082 13,258;25793,25864;31636,31755;38024,38143;39618,39869;45397,45525;50293,50412;52453,52650;70128,70219;73163,73273;74560,74683;75040,75149;75621,75723;78260,78324;78482,78575;79519,79638;80913,81027;82792,82931;86173,86309;86917,86997;87951,88242

38046 167,87042 13,258;25793,25864;31636,31755;38024,38143;39618,39869;45397,45525;50293,50412;52453,52650;70128,70219;73163,73273;74560,74683;75040,75149;75621,75723;78260,78324;78482,78575;79519,79638;80913,81027;82792,82931;86173,86309;86917,87340

38046 167,108658 13,258;25793,25864;31636,31755;38024,38143;39618,39869;45397,45525;50293,50412;52453,52656;70128,70219;73163,73273;74560,74683

3;75040,75149;75621,75723;78260,78324;78482,78575;79519,79638;80913,81027;82792,82931;86173,86309;86917,86997;87951,88078;90807,90921;91579,91780;92670,92779;92860,92940;95205,95328;95611,95732;95858,95969;97018,97127;97975,98105;98621,98789;99259,99429;101758,101819;102784,102841;104894,104968;106749,106923;107596,107719;108406,109723

38046 98741,99578 93947,95328;95611,95732;95858,95969;97018,97127;97975,98105;98621,98789;99259,99444;99447,99774

38047 9221,29805 1,70;9211,9442;15167,15360;19509,19675;20430,20490;28094,28293;29701,31214

38047 9221,29805 20,70;9211,9442;14900,15093;19509,19675;20430,20490;28094,28293;29701,32111

38048 72,73543 11,177;39524,39697;40633,40756;56795,56925;57861,57935;59143,59301;60133,60261;63724,63823;65658,65810;70493,70578;71593,71667;72014,72169;73442,73756

38048 72,73543 1,177;39524,39697;40633,40756;50801,50913;51709,51905;52400,52608;53707,53874;56795,56925;57861,57935;59143,59301;60133,60261;63724,63823;65658,65810;67351,67386;70493,70578;71593,71667;72014,72169;73442,74900

38048 72,73543 16,177;39524,39697;40633,40756;50801,50913;51709,51905;52400,52608;53707,53874;56795,56925;57861,57935;59143,59301;60133,60261;63724,63823;65658,65810;70493,70578;71593,71667;72014,72169;73442,74899

38048 72,73543 70,177;39524,39697;40633,40756;50801,50913;51709,51905;52400,52608;56795,56925;57861,57935;59143,59301;60133,60261;63724,63823;65658,65810;67351,67386;70493,70578;71593,71667;72014,72169;73442,74900

38049 171,1171 1,532;867,3214

38049 171,1171 171,428;497,502;507,532;867,1177;2173,3212

38049 171,1171 171,532;867,1177;2173,3202

38049 171,1171 171,532;867,3212

38050 7063,27091 1,216;4277,4387;4670,4808;7007,7149;8749,8874;9572,9742;11104,11294;12669,12823;17949,18052;18528,18737;20448,20568;22072,22200;22285,22366;27018,27251

38050 7063,27091 1,216;4277,4387;4697,4808;7007,7149;8749,8874;9572,9742;11104,11294;12669,12823;17949,18052;18528,18737;20448,20568;22072,22200;22285,22366;27018,27251

38050 11104,27091 4342,4387;4697,4808;7007,7149;8749,8874;9572,9742;11104,11294;12669,12823;17949,18052;18528,18737;20448,20568;22072,22200;22288,22366;27018,27244

38050 7063,22118 7064,7149;8749,8874;9572,9742;11104,11294;12669,12823;17949,18052;18528,18726;18729,18737;20448,20568;22072,22200;22288,22366;27018,27242

38051 2773,404349 1,98;1918,1972;2722,2993;149737,149798;168569,168658;172853,172930;176491,176583;200763,200929;201744,201856;201964,202070;202621,202740;202888,202983;203638,203765;203852,203945;204159,204313;205841,206117;210465,210593;211321,211398;212013,212174;213601

38051 249823,404349 218689,218702;249725,255208;255737,255886;259057,259272;259359,259508;265532,265765;268033,268182;269340,269573;271562,271786;275930,276448;277252,277428;277696,277819;279348,279556;279915,280232;286703,286869;288585,288741;291034,291151;297016,297078;297758,297999;298799,298928;300508,300707;303989,304484;305742,307213;340929,341090;341285,341455;342583,342749;346010,346169;346516,346842;347797,347881;348382,348623;349257,349463;351090,3

51209;351603,351710;352969,353187;354113,354320;356221,356225;356332,356563;3578
29,358055;359558,359680;359779,359880;360507,360608;360702,360875;360967,361122;
361269,361466;362001,362129;363217,363390;365987,366142;366247,366453;366588,366
707;367149,367318;369607,369766;370711,370905;371239,371367;372262,372405;373464
,373652;376925,377045;377641,377804;379187,379349;380438,380592;382167,382241;38
7152,387287;398353,398564;403156,403285;404093,405091
38051 249823,404349 249693,255208;255737,255886;259057,259272;
259359,259508;265532,265765;268033,268182;269340,269573;271562,271786;275930,276
448;277252,277428;277696,277819;279348,279556;279915,280232;286703,286869;288585
,288741;291034,291151;297016,297078;297758,297999;298799,298928;300508,300707;30
3989,304484;305742,307213;340929,341090;341285,341455;342583,342749;346010,34616
9;346516,346842;347797,347881;348382,348623;349257,349463;351090,351209;351603,3
51710;352969,353187;354113,354316;355030,355036;356330,356563;357829,358055;3595
58,359680;359779,359880;360507,360608;360702,360875;360967,361122;361269,361466;
362001,362129;363217,363390;365987,366142;366247,366453;366588,366707;367149,367
318;369607,369766;370711,370905;371239,371367;372262,372405;373464,373652;376925
,377045;377641,377804;379187,379349;380438,380592;382167,382241;383650,383667;38
7170,387287;398353,398564;403156,403285;404093,405672
38051 249823,404349 249693,255208;255737,255886;259057,259272;
259359,259508;265532,265765;268033,268182;269340,269573;271562,271786;275930,276
448;277252,277428;277696,277819;279348,279556;279915,280232;286703,286869;288585
,288741;291034,291151;297016,297078;297758,297999;298799,298928;300508,300707;30
3989,304484;305742,307213;340929,341090;341285,341455;342583,342749;346010,34616
9;346516,346842;347797,347881;348382,348623;349257,349463;351090,351209;351603,3
51710;352969,353187;354113,354320;356221,356225;356332,356563;357829,358055;3595
58,359680;359779,359880;360507,360608;360702,360875;360967,361122;361269,361466;
362001,362129;363217,363390;365987,366142;366247,366453;366588,366707;367149,367
318;369607,369766;370711,370905;371239,371367;372262,372405;373464,373652;376925
,377045;377641,377804;379187,379349;380438,380592;382167,382241;387152,387287;39
8353,398564;403156,403285;404093,405672
38051 2773,404349 2722,2993;149737,149798;168569,168658;172853
,172930;176491,176583;200763,200929;201744,201856;201964,202070;202621,202740;20
2888,202983;203638,203765;203852,203945;204159,204313;205841,206117;210465,21059
3;211321,211398;212013,212174;213601,213705;214342,
38051 387220,403377 387148,387287;398353,398564;399475,399585;
403156,404772
38051 40854,404349 40855,40951;149737,149798;168569,168658;172
853,172930;176491,176583;200763,200929;201744,201856;201964,202070;202621,202740
;202888,202983;203638,203765;203852,203945;204159,204313;205841,206117;210465,21
0593;211321,211398;212013,212174;213601,213705;21434
38052 1102,3027 1,212;1038,1398;1518,1617;1739,1812;1971,2090;
2571,2720;2910,3222
38053 124511,137575 124310,124600;125085,125231;126030,126179;
126341,127953;135546,135746;136243,136418;137076,137240;137516,138006
38053 124,70497 1,430;34261,34414;36618,36774;38276,38423;3915
2,39299;43899,44132;47368,47462;56782,57019;57321,57512;62824,62933;70396,70633
38053 124,137575 1,430;34261,34414;36618,36774;38276,38423;391
52,39299;43899,44132;47368,47462;56782,57019;57321,57512;62824,62933;80737,80824
;83278,83405;83746,83889;85115,85217;94677,95435;102978,103123;103279,103390;103
881,104026;104992,105134;105942,106155;107794,107969;108176,108338;110985,111080

;111520,111636;122223,122397;124153,124600;125085,125231;126030,126179;126341,127953;133519,133695;135546,135746;136243,136418;137076,137240;137516,138009
38053 124,137575 1,430;34261,34414;36618,36774;38276,38423;391
52,39299;43899,44132;47368,47462;56782,57019;57321,57512;62824,62933;80737,80824
;83278,83405;83746,83889;85115,85217;94677,95435;102978,103123;103279,103390;103
881,104026;104992,105134;105942,106155;107794,107969;108176,108338;110985,111080
;111520,111636;122223,122397;124153,124600;125085,125231;126030,126179;126341,12
7953;133519,133695;135546,135746;136243,136418;137076,137240;137516,138011
38053 124,147394 1,430;34261,34414;36618,36774;38276,38423;391
52,39299;43899,44132;47368,47462;56782,57019;57321,57512;62824,62933;80737,80824
;83278,83405;83746,83889;85115,85217;94677,95435;102978,103123;103279,103390;103
881,104026;104992,105134;105942,106155;107794,107969;108176,108338;110985,111080
;111520,111636;122223,122397;124153,124600;125085,125231;126030,126179;126341,12
7953;133519,133695;135546,135746;136243,136418;137076,137240;140329,140438;14706
3,147233;147391,147735
38053 124,70497 1,430;34261,34414;36651,36774;38276,38423;3915
2,39299;43899,44132;47368,47462;56782,57019;57321,57512;62824,62933;70396,70633
38053 145894,147419 145823,145997;147063,147233;147391,147735
38054 2,260895 1,558;43186,43434;46047,46228;93571,93726;95057
,95269;154706,154900;162120,162354;166694,166809;174545,174677;175923,176026;189
264,189458;190364,190627;207563,207741;211859,211992;219085,219238;223888,224032
;225366,225481;229265,229382;229633,229778;230214,230388;234720,234893;254072,25
4167;256976,257058;257408,257618;260031,260118;260810,262053
38055 2774,5651 1,211;2767,6999
38056 12621,102668 1,199;1724,1791;12600,12717;14145,14390;157
51,16020;16702,16872;24197,24374;27626,27735;29981,30197;32481,32664;33615,33788
;34275,34432;34551,34786;37025,37176;37326,37455;39045,39185;40112,40302;41579,4
1779;43010,43229;43339,43484;43991,44181;46588,46759;49340,49698;57602,57766;624
58,62630;62970,63098;66870,66990;68553,68711;70494,70630;83274,83408;86558,86755
;87620,87679;88248,88377;88678,88838;90975,91016;91021,91047;91595,91600;91603,9
1851;102372,102464;102555,102669;104648,104986
38056 12621,104673 1,199;1724,1791;12600,12717;14145,14390;157
51,16020;16702,16872;24197,24374;27626,27735;29981,30197;32481,32664;33615,33788
;34275,34432;34551,34786;37025,37176;37326,37455;39045,39185;40112,40302;41579,4
1779;43010,43229;43339,43484;43991,44181;46588,46759;49340,49698;57602,57766;624
58,62630;62970,63098;66870,66990;68553,68711;70494,70630;83274,83408;86558,86755
;87620,87679;88248,88377;88678,88838;90975,91047;91601,91851;102372,102464;10255
5,102669;104648,104986
38056 41627,91618 41628,41779;43010,43229;88768,88838;90975,91
047;91595,91618
38056 49544,102668 49545,49698;62458,62630;62970,63098;66870,6
6990;68553,68711;70494,70630;83274,83408;86558,86755;87620,87679;88248,88377;886
78,88838;90975,91047;91595,91851;102372,102464;102555,102669;104648,104760
38057 12125,51127 12126,12217;12762,12849;13493,13564;14599,14
628;14631,14717;15191,15248;16478,16537;16929,17108;19005,19132;21307,21393;2537
1,25472;27664,27795;31432,31601;35224,35326;39236,39388;40917,41099;46447,46575;
46703,46783;47391,47513;48494,48556;48917,49129;50753,51127
38057 0,54282 1,63;2085,2258;5380,5473;6810,6871;8588,8635;121
07,12217;12762,12849;13493,13564;14599,14717;15191,15248;16478,16537;16929,17108
;19005,19132;21307,21393;25371,25472;27664,27795;31432,31601;35224,35326;39236,3

9388;40917,41099;46447,46575;46703,46783;47391,47513;48917,49129;50753,51373;52238,52415;54143,54483
38057 0,54282 1,63;2085,2258;5380,5473;6810,6871;8588,8635;12107,12217;12762,12849;13505,13564;14599,14717;15191,15248;16478,16537;16929,17018;18960,19132;21307,21393;25371,25472;27664,27795;31432,31601;35224,35326;39236,39388;40917,41099;46447,46575;46703,46796;47413,47513;48494,48556;48917,49129;50753,51373;52238,52415;54143,54839
38057 0,54282 1,63;2085,2258;5380,5473;6810,6871;8588,8635;12107,12217;12762,12849;13505,13564;14599,14717;15191,15248;16478,16537;16929,17018;18960,19132;21307,21393;25371,25472;27664,27795;31432,31601;35224,35326;39236,39388;40917,41099;46447,46575;48917,49129;50753,51373;52238,52415;54143,54843
38058 22871,65580 1,85;182,304;1624,1788;10752,10767;17574,17635;19352,19399;22853,22963;23508,23595;24239,24310;25345,25374;25377,25463;25937,25994;27225,27284;27676,27855;29752,29879;32055,32141;36119,36220;38411,38542;42178,42347;45972,46074;49983,50135;51664,51846;57190,57318;57446,57526;58134,58256;59237,59299;59660,59872;61496,61894;65521,65580
38058 82,65022 1,85;182,304;1624,1788;10752,10814;12835,13008;16149,16242;17574,17635;19352,19399;22853,22963;23508,23595;24239,24310;25345,25463;25937,25994;27225,27284;27676,27855;29752,29879;32055,32141;36119,36220;38411,38542;42178,42347;45972,46074;49983,50135;51664,51846;57190,57318;57446,57526;58134,58256;59237,59299;59660,59872;61496,62116;62978,63155;64883,65585
38059 0,65182 1,102;199,321;1644,1808;10765,10827;12855,13028;16172,16265;17603,17664;19382,19429;22878,22988;23533,23620;24264,24335;25370,25488;25962,26019;27268,27327;27718,27897;29794,29921;32097,32183;36170,36271;38461,38592;42231,42400;46038,46140;50055,50207;51735,51917;57347,57475;57603,57683;58291,58413;59817,60029;61653,62273;63138,63315;65043,65743
38059 61739,65182 36257,36271;38461,38592;42231,42400;46038,46140;50055,50207;51735,51917;57347,57475;57603,57683;58291,58413;59394,59456;59817,60029;61653,62273;63138,63315;65043,65383
38060 94,5480 1,179;317,497;589,667;2635,2799;2890,3087;5106,6258
38061 20,19476 1,264;7130,7238;14672,14788;16710,16851;19276,19544;39628,39703;42393,42458;44962,45878
38061 94,44979 49,264;7130,7238;14672,14788;16710,16851;19276,19544;39628,39703;42393,42458;44962,45878
38061 93,42458 93,146;151,207;213,227;232,246;251,264;7130,7238;14672,14788;16710,16851;19276,19544;39628,39703;42393,42458;44962,45878
38062 521,384662 1,611;108377,108438;139297,139386;141701,141778;143921,144013;172859,173025;192422,192534;192634,192740;194977,195096;197484,197579;197673,197800;201163,201256;201565,201719;203061,203523;203609,203737;203893,203970;204055,204216;204303,204407;207014,207178;143921,144013;172859,173025;192422,192534;192634,192740;194977,195096;197484,197579;197673,197800;201163,201256;201565,201719;203061,203523;203609,203737;203893,203970;204055,204216;204303,204407;207014,207178
38062 521,384662 1,611;108377,108438;139297,139386;141701,141778;143921,144013;172859,173025;192422,192534;192634,192740;194977,195096;197484,197579;197673,197800;201163,201256;201565,201719;203061,203523;203609,203737;203893,203970;204055,204216;204303,204407;207014,207178
38062 200878,228150 200776,201044;201163,201256;201565,201719;203061,203523;203609,203737;203893,203970;204055,204216;204303,204407;207014,207109;207952,208077;208713,208865;209050,209204;209408,209534;210629,210812;211626,211783;212277,212455;213283,213421;214223,214416;215505,215667;216379,216462;218402,218509;219038,219136;222951,225680;226248,229069

38062 200878, 239839 200776, 201044; 201163, 201256; 201565, 201719;
203061, 203523; 203609, 203737; 203893, 203970; 204055, 204216; 204303, 204407; 207014, 207
109; 207952, 208077; 208713, 208865; 209050, 209204; 209408, 209534; 210629, 210812; 211626
, 211783; 212277, 212455; 213283, 213421; 214223, 214416; 215505, 215667; 216379, 216462; 21
8402, 218509; 219038, 219136; 229182, 229310; 232070, 232158; 233104, 233239; 234322, 23989
5

38062 200878, 384662 200776, 201044; 201163, 201256; 201565, 201719;
203061, 203523; 203609, 203737; 203893, 203970; 204055, 204216; 204303, 204407; 207014, 207
109; 207952, 208077; 208713, 208865; 209050, 209204; 209408, 209534; 210629, 210812; 211626
, 211783; 212277, 212455; 213283, 213421; 214223, 214416; 215

38062 200878, 384662 200776, 201044; 201163, 201256; 201565, 201719;
203061, 203523; 203609, 203737; 203893, 203970; 204055, 204216; 204303, 204407; 207014, 207
109; 207952, 208077; 208713, 208865; 209050, 209204; 209408, 209534; 210629, 210812; 211626
, 211783; 212277, 212455; 213283, 213421; 214223, 214416; 215

38062 373712, 384662 373710, 373783; 377471, 377588; 379902, 380101;
383412, 383535; 384399, 385605

38063 61, 41040 1, 189; 6251, 6394; 9418, 9501; 10241, 10355; 10454, 112
20; 14529, 14648; 16793, 16916; 17449, 17552; 19085, 19167; 21370, 21502; 22152, 22248; 23594
, 23764; 25301, 25455; 26417, 26606; 26823, 26989; 28658, 28792; 31719, 31783; 33867, 34009; 3
4100, 34203; 35367, 35543; 36994, 37224; 38585, 38782; 39073, 39203; 40955, 41470

38064 99, 1670 1, 124; 291, 352; 440, 506; 874, 915; 1114, 1276; 1586, 178
4

38064 99, 1670 26, 124; 291, 352; 440, 506; 874, 915; 1114, 1276; 1586, 17
91

38064 881, 1280 291, 352; 440, 813; 865, 1791

38064 881, 1670 782, 915; 1114, 1276; 1586, 1791

38065 88, 481 1, 546

38065 88, 481 46, 605; 13910, 14964

38066 8539, 62577 1, 124; 8457, 8622; 23236, 23320; 46373, 46450; 56371
, 56492; 59759, 59866; 62520, 62720; 63167, 63263; 63400, 63433; 64286, 64400; 67789, 67953; 6
9028, 69132; 69558, 69751

38067 19, 11054 1, 124; 129, 395; 2549, 2649; 5327, 5423; 5990, 6078; 818
8, 8261; 9596, 9676; 10262, 10491; 10590, 10649; 10890, 10913; 10916, 10945; 10950, 11143

38067 19, 11054 1, 395; 2549, 2649; 5327, 5423; 5990, 6078; 8188, 8261; 9
596, 9676; 10262, 10491; 10590, 10649; 10890, 11143

38068 15, 29344 1, 59; 4380, 4634; 18022, 18291; 22347, 22574; 24212, 24
292; 28600, 30557

38069 360, 141941 1, 3403; 140471, 140522; 141683, 143041

38069 492, 141941 1, 3403; 140471, 140522; 141683, 143041

38069 139938, 141941 139723, 140062; 140471, 140522; 141683, 143039

38069 139938, 141941 139723, 140062; 140471, 140522; 141683, 143041

38070 14664, 27167 1, 165; 14624, 14842; 18035, 18118; 20168, 20336; 20
827, 20969; 22760, 22963; 23413, 23567; 23727, 23812; 24594, 24696; 25372, 25526; 25687, 2578
6; 25862, 26019; 26421, 26503; 27010, 28831

38070 14664, 27167 1280, 1324; 14624, 14842; 18035, 18118; 22760, 2285
8; 23440, 23567; 23727, 23812; 24594, 24696; 25372, 25526; 25687, 25786; 25862, 26019; 26421,
26503; 27010, 28829

38070 18093, 25405 1600, 1781; 14624, 14842; 18035, 18118; 22760, 2285
8; 23440, 23567; 23727, 23812; 25372, 25526; 25687, 25786; 25862, 26019; 26421, 26503; 27010,
28831

38070 14664,27167 1600,1781;14624,14842;18035,18118;22760,22889;23462,23567;23727,23812;24594,24696;25372,25526;25687,25786;25862,26019;26421,26503;27010,28836

38071 41,12753 1,140;7822,8091;10366,10647;11332,11442;11916,11939;12739,13069

38072 44,501230 1,217;3289,3320;193394,193476;338548,338659;342576,342704;384304,384460;385495,385629;386144,386240;429881,430018;432682,432855;435957,436048;438852,438914;439815,439953;471180,471260;484060,484167;486032,486172;501066,507937

38073 2773,404349 1,98;1918,1972;2722,2993;149737,149798;168569,168658;172853,172930;176491,176583;200763,200929;201744,201856;201964,202070;202621,202740;202888,202983;203638,203765;203852,203945;204159,204313;205841,206117;210465,210593;211321,211398;212013,212174;213601

38073 249823,404349 218689,218702;249725,255208;255737,255886;259057,259272;259359,259508;265532,265765;268033,268182;269340,269573;271562,271786;275930,276448;277252,277428;277696,277819;279348,279556;279915,280232;286703,286869;288585,288741;291034,291151;297016,297078;297758,297999;298799,298928;300508,300707;303989,304484;305742,307213;340929,341090;341285,341455;342583,342749;346010,346169;346516,346842;347797,347881;348382,348623;349257,349463;351090,351209;351603,351710;352969,353187;354113,354320;356221,356225;356332,356563;357829,358055;359558,359680;359779,359880;360507,360608;360702,360875;360967,361122;361269,361466;362001,362129;363217,363390;365987,366142;366247,366453;366588,366707;367149,367318;369607,369766;370711,370905;371239,371367;372262,372405;373464,373652;376925,377045;377641,377804;379187,379349;380438,380592;382167,382241;383650,383667;387152,387287;398353,398564;403156,403285;404093,405672

38073 249823,404349 249693,255208;255737,255886;259057,259272;259359,259508;265532,265765;268033,268182;269340,269573;271562,271786;275930,276448;277252,277428;277696,277819;279348,279556;279915,280232;286703,286869;288585,288741;291034,291151;297016,297078;297758,297999;298799,298928;300508,300707;303989,304484;305742,307213;340929,341090;341285,341455;342583,342749;346010,346169;346516,346842;347797,347881;348382,348623;349257,349463;351090,351209;351603,351710;352969,353187;354113,354320;355030,355036;356330,356563;357829,358055;359558,359680;359779,359880;360507,360608;360702,360875;360967,361122;361269,361466;362001,362129;363217,363390;365987,366142;366247,366453;366588,366707;367149,367318;369607,369766;370711,370905;371239,371367;372262,372405;373464,373652;376925,377045;377641,377804;379187,379349;380438,380592;382167,382241;387152,387287;398353,398564;403156,403285;404093,405672

38073 249823,404349 249693,255208;255737,255886;259057,259272;259359,259508;265532,265765;268033,268182;269340,269573;271562,271786;275930,276448;277252,277428;277696,277819;279348,279556;279915,280232;286703,286869;288585,288741;291034,291151;297016,297078;297758,297999;298799,298928;300508,300707;303989,304484;305742,307213;340929,341090;341285,341455;342583,342749;346010,346169;346516,346842;347797,347881;348382,348623;349257,349463;351090,351209;351603,351710;352969,353187;354113,354320;356221,356225;356332,356563;357829,358055;359558,359680;359779,359880;360507,360608;360702,360875;360967,361122;361269,361466;362001,362129;363217,363390;365987,366142;366247,366453;366588,366707;367149,367318;369607,369766;370711,370905;371239,371367;372262,372405;373464,373652;376925,377045;377641,377804;379187,379349;380438,380592;382167,382241;387152,387287;398353,398564;403156,403285;404093,405672

38073 2773,404349 2722,2993;149737,149798;168569,168658;172853

, 172930; 176491, 176583; 200763, 200929; 201744, 201856; 201964, 202070; 202621, 202740; 202888, 202983; 203638, 203765; 203852, 203945; 204159, 204313; 205841, 206117; 210465, 210593; 211321, 211398; 212013, 212174; 213601, 213705; 214342,

38073 387220, 403377 387148, 387287; 398353, 398564; 399475, 399585; 403156, 404772

38073 40854, 404349 40855, 40951; 149737, 149798; 168569, 168658; 172853, 172930; 176491, 176583; 200763, 200929; 201744, 201856; 201964, 202070; 202621, 202740; 202888, 202983; 203638, 203765; 203852, 203945; 204159, 204313; 205841, 206117; 210465, 210593; 211321, 211398; 212013, 212174; 213601, 213705; 21434

38074 69, 7363 1, 112; 6971, 7044; 7142, 7170; 7297, 7410; 10245, 10306; 12085, 12190; 12332, 13385

38074 69, 12409 1, 112; 6971, 7044; 7142, 7255; 10245, 10306; 12085, 12190; 12332, 13385

38074 69, 12409 1, 112; 6971, 7044; 7297, 7410; 10245, 10306; 12085, 12190; 12332, 13385

38074 69, 7363 48, 112; 6971, 7044; 7142, 7170; 7297, 7410; 10245, 10306; 12085, 12190; 12332, 13296

38075 287, 110021 1, 416; 37456, 37598; 42700, 42775; 46597, 46699; 54103, 54196; 56674, 56785; 57930, 58036; 61483, 61524; 65615, 65700; 67908, 68031; 68287, 68423; 72137, 72240; 78667, 78816; 85093, 85200; 87063, 87194; 87291, 87321; 87838, 87937; 92384, 92443; 94254, 94358; 110006, 111623

38075 287, 110021 1, 416; 37456, 37598; 42700, 42775; 46597, 46699; 54103, 54196; 56674, 56785; 57930, 58036; 61483, 61524; 65615, 65700; 67908, 68031; 68287, 68423; 72137, 72240; 85093, 85200; 87063, 87194; 87291, 87321; 87838, 87937; 90973, 90996; 92384, 92443; 94254, 94358; 110006, 111623

38075 287, 110021 209, 416; 37456, 37598; 42700, 42775; 46597, 46699; 54103, 54196; 56674, 56785; 57930, 58036; 61483, 61524; 65615, 65700; 67908, 68031; 68287, 68423; 72137, 72240; 78667, 78816; 85093, 85200; 87063, 87194; 87291, 87321; 87838, 87937; 92384, 92443; 94254, 94358; 110006, 111623

38075 287, 110021 287, 416; 37456, 37598; 42700, 42775; 46597, 46699; 54103, 54196; 56674, 56785; 57930, 58036; 61483, 61524; 65615, 65700; 67908, 68031; 68287, 68423; 72137, 72240; 85093, 85200; 87063, 87194; 87291, 87321; 87838, 87937; 90973, 90996; 92384, 92443; 94254, 94358; 110006, 110079

38075 287, 110021 8, 416; 37456, 37598; 42700, 42775; 46597, 46699; 54103, 54196; 56674, 56785; 57930, 58036; 61483, 61524; 65615, 65700; 67908, 68031; 68287, 68423; 72137, 72240; 78667, 78816; 85093, 85200; 87063, 87194; 87291, 87321; 87838, 87937; 94254, 94358; 110006, 111378

38076 124, 97053 1, 375; 91426, 91599; 93478, 93637; 96880, 98646

38076 124, 97053 52, 375; 91426, 91599; 93478, 93637; 96880, 98648

38076 91579, 97053 689, 857; 91426, 91599; 93478, 93637; 96880, 98648

38076 88387, 97053 88173, 88473; 91426, 91599; 93478, 93637; 96880, 98648

38077 13534, 27733 10829, 10926; 13525, 13699; 19628, 19810; 26158, 26410; 26545, 26651; 27295, 27403; 27603, 28625

38077 13534, 27733 10829, 10926; 13525, 13699; 19628, 19810; 26158, 26410; 26545, 26651; 27295, 27403; 27603, 28628

38077 0, 27733 1, 18; 10569, 10590; 13525, 13699; 25184, 25268; 26158, 26410; 26545, 26651; 27295, 27403; 27603, 28645

38077 13534, 27733 207, 257; 10569, 10590; 13525, 13699; 26158, 26410; 26545, 26639; 27295, 27403; 27603, 28625

38078 302,38445 1,44;265,436;9411,9599;11886,12048;12820,12962
;16310,16509;23837,24189;35095,35167;38099,39085
38079 11614,110423 11566,13544;22634,22836;51832,51933;52148,5
2271;73383,73438;76014,76098;77434,78023;100703,100963;102572,102661;110316,1105
84
38079 11614,110423 1,67;11568,13544;22634,22836;51832,51933;52
148,52271;73383,73438;76014,76098;77434,78023;100703,100963;102572,102661;110316
,110584
38080 1507,21419 1493,1617;2614,2729;4870,4966;7849,7979;11898
,12061;14685,14807;15192,15287;15373,15458;15468,15531;16080,16145;16741,16916;1
8593,18683;19300,19421;19670,19775;19981,20102;20179,20286;20385,20501;20701,208
49;21056,21245;21326,21444
38080 1507,21419 1493,1617;2614,2729;4870,4997;7847,7979;11925
,12061;14685,14807;15192,15287;15373,15458;15468,15531;16080,16145;16741,16916;1
8593,18683;19300,19421;19670,19775;19981,20102;20179,20286;20385,20501;20701,208
49;21056,21245;21326,21444
38080 1507,21419 1507,1617;2614,2729;4870,4967;7847,7979;11898
,12061;14685,14807;15192,15287;15373,15531;16080,16145;16741,16916;18593,18683;1
9300,19421;19670,19775;19981,20102;20179,20286;20385,20501;20701,20849;21056,212
45;21326,21592
38080 19706,20721 15480,15531;16080,16145;16741,16916;18593,18
683;19300,19421;19670,19775;19981,20102;20330,20501;20701,20849;21056,21245;2132
6,21589
38080 1507,21419 1,67;1494,1617;2614,2729;4870,4967;7847,7979;
11925,12061;14685,14846;15192,15287;15373,15531;16080,16145;16741,16916;18593,18
683;19300,19421;19670,19775;19981,20102;20179,20286;20385,20501;20701,20849;2105
6,21245;21326,21444
38080 7926,21419 1,67;1494,1617;2614,2729;4870,4997;7847,7979;
11925,11939;12031,12051;12053,12083;20753,20849;21056,21245;21326,21444
38080 7926,21419 4895,4997;7847,7979;11925,11995;20754,20849;2
1056,21245;21326,21444
38081 68898,79816 1,269;68751,69219;69398,69533;70007,70134;73
968,74088;75446,75499;75861,75933;77125,77270;79578,84096
38081 23049,105911 21330,21399;22816,22940;23021,23057;23954,2
4069;26231,26327;29154,29284;33218,33354;99167,99289;99674,99769;99855,100013;10
0562,100627;101223,101398;103084,103174;103791,103912;104161,104266;104472,10459
3;104670,104777;104876,104992;105193,105341;105548,105737;105818,105936
38081 23049,105911 21330,21399;22816,22940;23021,23057;23954,2
4069;26231,26358;29152,29284;33218,33354;99167,99289;99674,99769;99855,100013;10
0562,100627;101223,101398;103084,103174;103791,103912;104161,104266;104472,10459
3;104670,104777;104876,104992;105193,105341;105548,105737;105818,105936
38081 22830,42707 21330,21399;22816,22940;23954,24069;26231,26
327;29154,29284;33191,33354;35977,36099;36484,36579;36665,36750;36757,36820;3736
9,37434;38030,38205;39881,39971;40588,40709;40958,41063;41269,41390;41467,41574;
41673,41789;41989,42137;42344,42533;42614,42732
38081 22830,105911 21330,21399;22816,22940;23954,24069;26231,2
6327;29154,29284;33191,33354;99167,99289;99674,99769;99855,100013;100562,100627;
101223,101398;103084,103174;103791,103912;104161,104266;104472,104593;104670,104
777;104876,104992;105193,105341;105548,105737;105818,105936
38081 22830,105911 21330,21399;22816,22940;23954,24069;26231,2

6327;29154,29284;33218,33354;99167,99289;99674,99769;99855,100013;100562,100627;
101223,101398;103084,103174;103791,103912;104161,104266;104472,104593;104670,104
777;104876,104992;105193,105341;105548,105737;105818,105936
38081 22830,42707 21330,21399;22816,22940;23954,24069;26231,26
358;29152,29284;33218,33354;35977,36099;36484,36579;36665,36750;36757,36820;3736
9,37434;38030,38205;39881,39971;40588,40709;40958,41063;41269,41390;41467,41574;
41673,41789;41989,42137;42344,42533;42614,42732
38081 22830,105911 21330,21399;22816,22940;23954,24069;26231,2
6358;29152,29284;33218,33354;99167,99289;99674,99769;99855,100013;100562,100627;
101223,101398;103084,103174;103791,103912;104161,104266;104472,104593;104670,104
777;104876,104992;105193,105341;105548,105737;105818,105936
38081 22830,105911 21330,21399;22816,22940;23954,24069;26231,2
6358;29152,29284;33218,33354;99167,99328;99674,99769;99855,100013;100562,100627;
101223,101398;103084,103174;103791,103912;104161,104266;104472,104593;104670,104
777;104876,104992;105193,105341;105548,105737;105818,105936
38081 99187,105911 21330,21399;22816,22940;23954,24069;26231,2
6358;29152,29284;99167,99289;99674,99769;99855,100013;100562,100627;101223,10139
8;103084,103174;103791,103912;104161,104266;104472,104593;104670,104777;104876,1
04992;105193,105341;105548,105737;105818,105936
38081 99688,105911 21330,21399;22816,22940;23954,24069;26231,2
6358;29152,29284;99674,99769;99855,100013;100562,100627;101223,101398;103084,103
174;103791,103912;104161,104266;104472,104593;104670,104777;104876,104992;105193
,105341;105548,105737;105818,105936
38081 22830,42707 21342,21408;22817,22940;23954,24069;26231,26
328;29152,29284;33191,33354;35977,36099;36484,36579;36665,36750;36757,36820;3736
9,37434;38030,38205;39881,39971;40588,40709;40958,41063;41269,41390;41467,41574;
41673,41789;41989,42137;42344,42533;42614,42732
38081 22830,42707 21342,21408;22817,22940;23954,24069;26231,26
328;29152,29284;33218,33354;35977,36099;36484,36579;36665,36750;36757,36820;3736
9,37434;38030,38205;39881,39971;40588,40709;40958,41063;41269,41390;41467,41574;
41673,41789;41989,42137;42344,42533;42614,42732
38081 22830,42707 21342,21408;22817,22940;23954,24069;26231,26
328;29152,29284;33218,33354;35977,36138;36484,36579;36665,36750;36757,36820;3736
9,37434;38030,38205;39881,39971;40588,40709;40958,41063;41269,41390;41467,41574;
41673,41789;41989,42137;42344,42533;42614,42732
38081 37399,42707 21342,21408;22817,22940;23954,24069;26231,26
358;29152,29284;33218,33354;35977,36099;36484,36579;36665,36750;36757,36820;3736
9,37434;38030,38089;39881,39971;40588,40709;40958,41063;41269,41390;41467,41574;
41673,41789;41989,42137;42344,42533;42614,42732
38081 22830,42707 21342,21408;22817,22940;23954,24069;26231,26
358;29152,29284;33218,33354;35977,36099;36484,36579;36665,36750;36757,36820;3736
9,37434;38030,38205;39881,39971;40588,40709;40958,41063;41269,41390;41467,41574;
41673,41789;41989,42137;42344,42533;42614,42732
38081 37399,42707 21342,21408;22817,22940;23954,24069;26231,26
358;29152,29284;33218,33354;35977,36138;36484,36579;36665,36750;36757,36820;3736
9,37434;38030,38089;39881,39971;40588,40709;40958,41063;41269,41390;41467,41574;
41673,41789;41989,42137;42344,42533;42614,42732
38081 29231,42707 26256,26358;29152,29284;33218,33288;42042,42
137;42344,42533;42614,42732
38082 54,5476 1,90;351,426;854,918;1229,1310;1406,1506;2452,25

47;2635,2745;5387,5926

38082 54,5476 1,90;351,426;854,918;1229,1310;1406,1506;2452,25
47;5387,5926

38083 128,7746 1,268;4156,4301;5899,6034;7602,8214

38083 128,7660 6,268;4156,4301;7602,8214

38084 14033,46715 1,343;14025,14861;25730,25922;30298,30476;33
136,33224;38427,38495;39559,39675;43080,43154;46568,47179

38084 14033,46715 14033,14172;14208,14223;14228,14861;25730,25
922;30298,30476;33136,33224;38427,38495;39559,39675;43080,43154;46568,47179

38084 4905,46715 260,343;4813,4923;14025,14861;25730,25922;302
98,30476;33136,33224;38427,38495;39559,39675;43080,43154;46568,47179

38084 14033,46715 58,343;14024,14861;25730,25922;30298,30476;3
3136,33224;38427,38495;39559,39675;43080,43154;46568,49665

38084 14033,46715 58,343;14025,14861;25730,25922;30298,30476;3
3136,33224;38427,38495;39559,39675;43080,43154;46568,49665

38085 2,42838 1,587;17921,17962;18075,18116;19171,19398;20969,
21002;24817,24894;28206,28386;29025,29179;29345,29485;30682,30775;32861,32941;38
376,38549;39781,39870;40027,40195;42785,43274

38085 18095,42838 5,587;17921,17962;18075,18116;19171,19398;20
969,21002;24817,24894;28206,28386;29025,29179;29345,29485;30682,30775;32861,3294
1;38376,38549;39781,39870;40027,40195;42785,43274

38086 157,4936 1,195;3885,4004;4411,4488;4798,5787

38086 157,4936 4,195;3885,4004;4411,4488;4798,5787

38087 2,206432 1,317;128860,128958;138962,139039;161142,161305
;162149,162266;166878,166988;172791,172904;178034,178158;184220,184332;184641,18
4924;187957,188209;189480,189654;189861,189962;190628,190678;190782,190839;19386
5,193967;204580,204803;206421,207924

38087 251,206432 250,317;128860,128958;138962,139039;166878,16
6988;172791,172904;178034,178158;184220,184332;184641,184924;187957,188209;18948
0,189654;189861,189962;190628,190678;190782,190839;193865,193967;204580,204803;2
06421,207922

38087 251,204812 251,317;128860,128958;138962,139039;161142,16
1305;162149,162266;172791,172904;178034,178158;184220,184332;184641,184924;18795
7,188209;189480,189654;189861,189962;190628,190678;190782,190839;193865,193967;2
04580,204811

38087 251,206432 5,317;128860,128958;138962,139039;161142,1613
05;162149,162266;166878,166988;172791,172904;178034,178158;184220,184332;184641,
184924;187957,188209;189480,189654;189861,189962;190628,190678;190782,190839;193
865,193967;204580,204803;206421,207924

38088 20,5935 1,50;415,458;785,920;1122,1328;1601,1680;1871,19
62;2195,2309;2512,2588;2775,2877;3133,3260;3398,3575;5436,5616;5735,5980

38088 20,5935 1,50;415,458;785,920;1125,1328;1601,1680;1871,19
62;2195,2309;2512,2588;2775,2877;3133,3260;3398,3575;5436,5616;5735,5971

38088 321,5935 282,458;785,920;1122,1328;1601,1680;1871,1962;2
195,2309;2512,2588;2775,2877;3133,3260;3398,3575;5436,5616;5735,5971

38088 321,5935 282,458;785,920;1125,1328;1601,1680;1871,1962;2
195,2309;2512,2588;2775,2877;3133,3260;3398,3575;5436,5616;5735,5971

38089 71,14199 1,138;3677,3940;12393,12698;12945,13232;13315,1
3569;13695,13940;14027,15527

38089 71,14199 15,138;3677,3940;12393,12698;12945,13232;13315,

13569;13695,13940;14027,15527

38090 2193,11733 1,124;2125,2206;2291,2447;2691,2822;6765,6872
;8130,8251;9043,9199;9550,9666;9764,9850;11541,11972

38090 2193,11733 1,124;2126,2206;2291,2447;2691,2822;6765,6872
;8130,8251;9043,9199;9550,9666;9764,9850;11541,11972

38090 2193,11733 1540,2206;2291,2447;2691,2822;6765,6872;8130,
8251;9043,9199;9550,9666;9764,9850;11541,11972

38090 2193,11938 2192,2206;2291,2447;2691,2822;6765,6828;11867
,11947

38090 2193,11733 2192,2206;2291,2447;2691,2822;8130,8251;9043,
9199;9550,9666;9764,9850;11541,11736

38090 2193,11733 836,854;2125,2206;2291,2447;2691,2822;6765,68
72;8130,8251;9043,9199;9550,9666;9764,9850;11550,11972

38091 676,10589 1,182;647,758;1521,1868;5284,5565;7225,7446;79
93,8013;8102,8125;9985,11677

38091 676,9781 1,182;647,758;1521,1868;5284,5565;7225,7446;799
3,8013;8102,8128;9759,11677

38091 676,10589 1,182;647,758;1521,1868;5284,5565;7225,7446;79
93,8013;8102,8128;9988,11677

38091 676,10780 1,182;647,758;1521,1868;5284,5565;7258,7446;79
93,8013;8102,8128;9988,10448;10548,10550;10553,10661;10701,10780

38092 1102,3027 1,212;1038,1398;1518,1617;1739,1812;1971,2090;
2571,2720;2910,3222

38093 158948,645999 1,428;158866,159053;269757,270058;294101,2
94183;315867,315990;355406,355577;488160,488264;536121,536233;538381,538506;5826
24,582779;604177,604340;615918,616196;637077,637223;643170,643365;645801,647340
38093 158948,645999 3,428;63621,63683;158866,159053;269757,270
058;294101,294183;315867,315990;355406,355577;488160,488264;536121,536233;538381
,538506;582624,582779;604177,604340;615918,616196;637077,637223;643170,643365;64
5801,647340

38093 158948,645999 85,428;63621,63683;158866,159053;269757,27
0058;294101,294183;315867,315990;355406,355577;488160,488264;536121,536233;53838
1,538506;582624,582779;604177,604340;615918,616196;637077,637223;643170,643365;6
45801,647564

38094 36666,419178 1,250;36511,37335;91927,92343;113513,113587
;118955,119110;124629,124796;150383,150550;189303,189440;190688,190828;192044,19
2184;198622,198815;213264,213275;245532,245667;271797,271928;298615,298775;38059
6,380740;416912,417010;419152,419216;453325,453513;498856,502294

38094 36666,419178 1,250;36511,37335;91927,92343;113513,113587
;118955,119110;124629,124796;150383,150550;189303,189440;190688,190828;192044,19
2184;198622,198815;213264,213275;245532,245667;298615,298775;380596,380740;41691
2,417010;419152,419216;453325,453513;498856,502294

38094 36666,419178 1,85;36511,37335;150383,150550;189303,18944
0;190688,190828;192044,192184;198622,198815;213264,213275;245532,245667;271797,2
71928;298615,298775;380596,380740;416912,417010;419152,419216;453325,453513;4988
56,502294

38094 36666,498993 1,85;36511,37335;91927,92343;113513,113587;
118955,119110;120978,121061;124629,124796;150383,150550;189303,189440;190688,190
828;192044,192184;198622,198815;245532,245667;271797,271928;298615,298775;380596
,380740;416912,417010;453325,453513;498856,502294

38094 36666,498993 1,85;36511,37335;91927,92343;113513,113587;
118955,119110;124629,124796;150383,150550;189303,189440;190688,190828;192044,192
184;198622,198815;245532,245667;271797,271928;298615,298775;380596,380740;416912
,417010;453325,453513;498856,502294

38094 36666,498993 36510,37335;91927,92343;113513,113587;11895
5,119110;120978,121061;124629,124796;150383,150550;189303,189440;190688,190828;1
92044,192184;198622,198815;245532,245667;271797,271928;298615,298775;380596,3807
40;416912,417010;453325,453513;498856,502294

38094 36666,419178 36510,37335;91927,92343;113513,113587;11895
5,119110;124629,124796;150383,150550;189303,189440;190688,190828;192044,192184;1
98622,198815;198947,198961;245532,245667;271797,271928;298615,298775;380596,3807
40;416912,417010;419152,419216;453325,453513;498856,502294

38094 36666,419178 36510,37335;91927,92343;113513,113587;11895
5,119110;124629,124796;150383,150550;189303,189440;190688,190828;192044,192184;1
98622,198815;198947,198961;245532,245667;298615,298775;380596,380740;416912,4170
10;419152,419216;453325,453513;498856,499140

38094 36666,419178 36667,37335;150383,150550;189303,189440;190
688,190828;192044,192184;198622,198815;198947,198961;245532,245667;271797,271928
;298615,298775;380596,380740;416912,417010;419152,419216;453325,453513;498856,49
9842

38095 2852,7205 1,114;2844,2990;3463,3553;3753,3880;4040,4119;
4216,4312;4873,4965;6301,6365;6804,6843;7197,7746

38095 2852,7205 1,114;2845,2990;3463,3553;3753,3880;4040,4119;
4216,4312;4873,4965;6301,6365;6804,6843;7197,7746

38096 283,232263 1,460;20821,20968;25827,25969;78752,78783;155
774,155865;194112,194187;199193,199271;202629,202783;204684,204759;207118,207327
;215984,216085;218338,218470;219298,219359;219621,219706;220160,220368;222065,22
2203;224119,224251;225156,225321;225854,225955;226219,226341;226517,226626;22699
5,227149;227395,227678;227779,227973;228566,228792;228984,229106;230190,230326;2
30461,230654;230926,232118;232123,232512

38096 283,232263 1,460;20821,20968;25827,25969;78752,78783;155
774,155865;194112,194187;199193,199271;202629,202783;204684,204759;207118,207327
;215984,216085;218338,218470;219298,219359;219621,219706;220160,220368;222065,22
2203;224119,224251;225156,225321;225854,225955;226219,226341;226517,226626;22699
5,227149;227395,227678;227779,227973;228566,228792;228984,229106;230190,230326;2
30461,230654;230926,232512

38096 202757,229092 27,460;20821,20968;25827,25969;78752,78783
;155774,155865;194112,194187;199193,199271;202629,202783;204684,204759;215984,21
6085;218338,218470;219298,219359;219621,219706;220160,220368;222065,222203;22411
9,224251;225156,225321;225854,225955;226219,226341;226517,226626;226995,227149;2
27395,227678;227779,227973;228566,228617;228684,228687;228689,228792;228984,2291
06;230190,230326;230464,230654;230926,232509

38097 394,3789 1,468;788,967;1053,1164;1378,1525;1603,1704;179
8,1994;2077,2273;2386,2566;2728,2802;2953,3143;3237,3407;3546,3878

38097 394,3789 300,468;1053,1164;1378,1525;1603,1704;1798,1994
;2077,2273;2386,2566;2728,2802;2953,3143;3237,3407;3546,3878

38097 394,3789 300,468;788,967;1053,1164;1378,1525;1603,1704;1
798,1994;2077,2273;2386,2539;2707,2802;2953,3143;3237,3407;3546,3875

38098 269,9380 1,107;255,477;946,1145;1291,1383;1499,2020;6917
,7037;7187,7356;7465,7643;8555,8675;9276,9807

38098	4,9380	1,107;258,374;850,867;946,1145;1291,1383;1499,2020;6917,7037;7187,7356;7465,7643;8555,8675;9276,9807
38099	12798,13560	1,86;12789,15165
38099	12798,13560	1,90;12789,15165
38100	1141,15810	1142,1717;3096,3301;3438,3501;3695,3867;4350,4471;8740,8886;12466,12561;12650,12735;13657,13827;13919,14064;15657,15810
38100	1141,15810	1,1717;3096,3301;3438,3501;3695,3867;4350,4471;8740,8886;12466,12561;12650,12735;13657,13827;13919,14064;15657,16959
38101	112,35143	111,240;28510,28638;31043,31072;35134,35157;36211,36246;38321,38690
38101	112,35143	112,240;28510,28638;31043,31072;35134,35157;36212,36246;38322,38690
38101	112,38404	1,240;28510,28638;31043,31072;36212,36246;38322,38694
38101	112,38404	47,240;28510,28638;31043,31072;36212,36246;38322,38690
38102	2,383	1,445
38102	2,383	2,382
38103	77,1754	12,333
38104	335,114495	1,377;493,807;78206,78259;88840,89169;114331,114494
38104	19004,19512	19004,19046;19168,19511
38104	37026,37502	35657,37071;37182,37925
38104	37473,114495	37196,37505;80877,80931;88840,89169;114331,114494
38104	88852,89029	80871,80931;88840,89169;92300,92347;94288,94875
38104	89025,94431	80871,80931;88840,89169;92300,92347;94288,94875
38104	88839,114495	88839,89169;105180,105275;114352,114923
38105	0,2312	1,135;223,327;332,357;447,541;860,958;1074,1222;1299,1401;1488,1588;1670,1840;2022,2312
38106	5429,7627	1,233;1440,2612;3056,4450;4542,4665;5423,5525;5612,5712;5795,5965;6147,6318;7301,7667
38106	4125,6438	4125,4259;4347,4448;4542,4665;4984,5082;5198,5346;5423,5525;5612,5712;5795,5965;6147,6437
38107	135,21595	1,142;237,323;6950,7066;7484,7624;7826,7969;10422,10603;10715,10798;12560,12806;15497,15672;19249,19396;21240,24753
38107	135,21595	1,142;237,323;6950,7066;7484,7624;7826,7969;10422,10603;10715,10798;12560,12806;15497,15783;19249,19396;21240,24753
38107	6,21595	1,142;237,323;6950,7066;7484,7624;7826,7969;10422,10603;10715,10798;12560,12806;15497,15783;19249,19396;21240,24753
38108	1,9295	1,19;7634,9294
38109	59,4782	1,145;1090,1230;4593,6093
38110	581,2380	1,327;575,936;1109,1344;1431,1650;1778,1913;2053,2147;2232,2445
38111	11995,23231	1,278;10781,10819;11985,12155;13758,13979;15667,16638;17144,17328;18790,18957;20059,20189;20610,20747;23087,24311
38111	11995,23231	8600,9598;10781,10819;11985,12155;13758,13979;15667,16638;17144,17328;18790,18957;20059,20189;20610,20747;23087,24297

38111 11995,23231 9228,9598;10781,10819;11985,12155;13758,1397
9;15667,16638;17144,17328;18790,18957;20059,20189;20610,20747;23087,24311

38112 153374,211687 114343,114385;153363,153620;158982,159078;
165405,165503;169323,169426;170391,170540;176969,177148;178721,178797;178897,179
050;198795,198926;211478,212141

38112 153374,211687 1,457;26796,26836;92790,92859;153363,15362
0;158982,159078;165405,165503;169323,169426;170391,170540;173157,173321;176969,1
77148;178721,178797;178897,179050;198795,198926;211478,212143

38112 153374,211687 1,457;26796,26836;92790,92859;153363,15362
0;158982,159078;165405,165503;169323,169426;170391,170540;176969,177148;178721,1
78797;178897,179050;198795,198926;211478,212141

38112 153374,211687 153363,153620;158982,159078;165405,165503;
169323,169426;170391,170540;173755,173910;176969,177148;178721,178797;178897,179
050;198795,198926;211478,212143

38112 153374,211687 79544,79802;92790,92859;153363,153620;1589
82,159078;165405,165503;169323,169426;170391,170540;173755,173910;176969,177148;
178721,178797;178897,179050;198795,198926;211478,212060

38113 66,176931 1,185;79338,79447;93125,93328;105638,105714;10
7402,107481;114112,114241;116421,116567;117836,117909;122262,122504;129922,13001
1;131447,131982;135947,136055;136621,136701;138051,138137;139166,139358;149596,1
49748;152408,152499;161882,162014;163270,163434;168564,168656;172643,172876;1757
54,175878;176865,177665

38113 66,176931 1,185;79338,79447;93125,93328;105638,105714;10
7402,107481;114112,114241;116421,116567;117836,117909;122262,122504;129922,13001
1;131447,131982;135947,136055;136621,136701;138051,138137;139166,139358;149596,1
49748;152408,152499;161882,162014;163270,163434;168564,168656;172643,172876;1757
54,175878;176865,177671

38114 11381,89125 11381,11494;12026,12223;80460,80561;80656,80
784;84811,84871;86774,86850;87768,87865;88076,88172;88424,88503;88609,88734;8907
3,91904

38114 154,17722 1,366;11384,11494;12026,12223;12688,12789;1290
1,13023;13320,13380;13948,14024;14572,14669;15080,15176;15345,15424;15559,15684;
17670,18008

38114 6619,17722 6619,6636;11384,11494;12026,12223;12688,12789
;12901,13023;13320,13380;13948,14024;14572,14669;15080,15176;15345,15424;15559,1
5684;17670,18008

38115 116,6563 1,211;2475,2601;3514,3638;4222,4344;5129,5248;5
993,6055;6470,6684

38115 116,4290 1,211;2475,2601;3514,3723;4222,4344;5129,5248;5
993,6055;6470,6684

38116 461,36198 1,936;2651,2728;7269,7328;18085,18126;19261,19
347;21925,21981;25782,25816;35893,36198

38116 461,36198 244,936;2651,2728;7272,7328;18085,18126;19261,
19347;21925,21981;25782,25823;26564,26632;31957,32013;35411,38035

38117 299,13363 14,500;2103,2161;11849,11975;12242,12352;13286
,13425;15395,15478;15649,15762;16958,17142;20205,20238

38117 2147,13363 1,500;2103,2161;11849,11975;12242,12352;13286
,13425;15396,15482;16959,17142;20206,20325

38117 2147,16994 1,500;2103,2161;11849,11975;12242,12352;13291
,13425;15396,15482;16959,17142;20206,20325

38117 256,15682 256,354;359,500;2103,2161;11849,11975;12242,12352;13291,13425;15396,15482;15650,15762;16959,17142

38118 8857,31254 1,173;1659,1803;8854,9032;12244,12379;15845,16007;16986,17110;18459,18567;18677,18784;21090,21243;21458,21525;21671,21792;23681,23807;24198,24302;24514,24616;25400,25620;26227,26382;26742,26938;29281,29415;31185,33199

38118 8857,31254 1,173;1659,1803;8854,9032;12244,12379;15845,16007;16986,17110;18459,18567;18677,18784;21090,21243;21458,21525;21671,21792;23681,23807;24198,24302;24514,24616;25400,25629;26233,26382;26742,26938;29281,29415;31185,33197

38119 218499,284309 1,262;89605,89655;218499,218723;246760,246903;250425,250478;260154,260246;263020,263080;267035,267088;267209,267301;268483,268615;281942,282030;282508,282580;284254,284428

38119 218499,284299 188096,188311;218499,218723;246760,246903;260154,260246;263020,263080;267035,267088;267209,267301;268483,268615;272359,272398;281942,282030;282508,282580;284254,284558

38119 188285,284309 188119,188311;218499,218723;246757,246903;250425,250478;260154,260246;263020,263080;267035,267088;267209,267301;268483,268615;281942,282030;282508,282580;284254,284903

38119 218499,284299 188119,188311;218499,218723;246760,246903;250425,250478;260154,260246;263020,263080;267035,267088;267209,267305;267978,267985;268483,268615;272359,272398;281942,282030;282508,282580;284254,284903

38119 188285,284309 188122,188311;218499,218723;246757,246903;250425,250478;260154,260246;263020,263080;267035,267088;267209,267301;268483,268615;281942,282030;282508,282580;284254,284901

38120 174,4183 1,492;960,1732;2792,2963;3193,3269;3472,3617;374,4571

38120 174,4183 1,492;960,1772;3193,3269;3472,3617;3774,4571

38120 174,4183 175,492;960,1732;1769,1772;3193,3269;3472,3617;3774,4183

38120 174,4183 175,492;960,1772;3193,3269;3472,3617;3774,4183

38120 174,4183 79,492;960,1732;2792,2963;3193,3269;3472,3617;3774,4571

38121 60,4856 1,127;3937,4215;4843,4870;6120,6673

38121 60,4856 1,127;3937,4215;4843,4870;6121,6673

38122 4709,61646 125,404;4640,5129;54905,55057;58845,58978;59405,59513;61506,62700

38122 4709,61646 1,404;4640,5129;38879,39006;51534,51732;54905,55057;58845,58978;59405,59513;61506,63981

38122 4862,51599 4706,5129;51534,51732;54905,55057;58845,58978;59405,59513;61506,61666

38122 4709,61646 6,404;4640,5129;38879,39006;51534,51732;54905,55057;58845,58978;59405,59513;61506,63981

38123 9445,58585 1,40;2963,3037;9443,9531;40086,40178;41136,41296;42894,43134;44034,44196;45218,45405;51575,51679;53317,53418;54866,55069;58366,59099

38123 9445,58585 9445,9531;40086,40178;41136,41296;42894,43134;44034,44196;45218,45405;51575,51679;53317,53418;54866,55069;58366,60380

38124 27,19089 1,203;3947,4116;6156,6354;7096,7255;7344,7477;10700,10776;12481,12597;12693,12887;13270,13381;14542,14693;15196,15277;17528,175

96;18184,18322;18937,20473

38124 27,19089 27,203;3947,4116;6156,6354;7096,7255;7344,7477;
10700,10776;12481,12597;12693,12887;13270,13381;14542,14693;15196,15277;17528,17
596;18184,18322;18937,20474

38124 27,18992 27,203;3947,4116;6156,6358;18304,18322;18937,20
473

38125 31,6561 1,119;1654,1995;2302,2946;3119,3333;3911,4037;42
30,4390;4944,5169;6158,7576

38125 31,6561 1,119;1855,1995;2302,2946;3119,3333;3911,4037;42
30,4390;4944,5169;6158,7576

38126 150,46426 1,419;24800,24909;28670,28819;35612,35731;4566
2,45719;46375,46898

38126 369,46426 1,419;24800,24909;28670,28819;35612,35731;4566
2,45719;46375,46898

38127 120,20838 1,337;6615,6652;8043,8160;13132,13243;18331,18
384;19689,19724;20667,21122

38127 120,20838 1,337;6615,6652;8043,8160;13132,13243;20667,21
122

38127 120,20838 39,337;6615,6652;8043,8160;13132,13243;20667,2
1122

38127 120,20838 56,337;6615,6652;8043,8160;13132,13243;18331,1
8384;19689,19724;20667,21122

38128 1,50999 1,42;4774,5073;9013,9141;13241,13285;13288,13351
;14377,14474;19349,19464;21237,21423;23564,23687;24945,25026;25583,25695;26439,2
6638;27687,27837;35350,35471;42144,42220;43648,43714;45380,45526;49611,49735;508
81,53496

38128 4809,50999 4468,5073;9013,9141;13241,13465;14377,14474;1
9349,19464;21237,21423;23564,23687;24945,25026;25583,25695;26439,26638;27687,278
37;35350,35471;42144,42220;43648,43714;45380,45526;49611,49735;50881,53496

38129 85,14117 1,168;2180,2310;3257,3329;3873,3989;5819,5907;7
067,7171;7846,7981;9343,9473;13996,14324

38129 85,14117 45,168;2180,2310;3257,3329;3873,3989;5819,5907;
7067,7171;7846,7981;9343,9473;13996,14324

38129 7002,8435 6330,7171;7846,8482;14212,14324

38130 217,22842 1,422;4721,4848;4948,5027;6745,7000;7506,7637;
8982,9189;9323,9516;9873,9961;10077,10204;10353,10448;10622,10683;10831,11000;11
467,11616;12262,12377;12929,13121;13204,13284;13377,13456;13569,13643;13776,1387
8;14582,14758;14924,15055;18942,19055;19599,19697;19803,19928;22611,23324

38130 217,22842 1,422;4721,4848;4948,5027;6745,7000;7910,8029;
8982,9189;9323,9516;9873,9961;10077,10204;10353,10448;10622,10683;10831,11000;11
467,11616;12262,12377;12929,13121;13204,13284;13377,13456;13569,13643;13776,1387
8;14582,14758;14924,15055;18942,19055;19599,19697;19803,19928;22611,23324

38130 217,22672 217,422;4721,4848;4948,5027;6745,7000;7506,763
7;7910,8029;8982,9189;9323,9516;9873,9961;10077,10204;10353,10448;10622,10683;10
831,11000;11467,11616;12262,12377;12929,13121;13204,13284;13377,13456;13569,1364
3;13776,13878;14582,14758;14924,15055;18942,19055;19599,19697;19803,19928;21585,
21697;22611,23327

38130 217,22842 217,422;4721,4848;4948,5027;6745,7000;7910,802
9;8982,9189;9323,9516;9873,9961;10077,10204;10353,10448;10622,10683;10831,10943;
13204,13284;13377,13456;13569,13643;13776,13878;14582,14758;14924,15055;18942,19

055;19599,19697;19803,19928;22611,23327

38130 217,22842 56,422;4721,4848;4948,5027;6745,7000;7910,8029
;8982,9189;9323,9516;9873,9961;10077,10204;10353,10448;10622,10683;10831,11000;1
1467,11616;12262,12377;12929,13121;13204,13284;13377,13456;13569,13643;13776,138
78;14582,14758;14924,15055;18942,19055;19599,19697;19803,19928;22611,23327

38131 158,4799 1,238;870,1076;1264,1370;3332,3377;3514,3606;37
65,3896;4091,4204;4402,4525;4650,5138

38132 59,44248 1,248;807,1036;5040,5123;12717,12852;12962,1308
9;15348,15446;16084,16175;19515,19626;19858,19955;20428,20542;21571,21713;21927,
22048;27447,27511;27604,27766;28141,28295;28538,28605;29175,29268;30260,30418;30
545,30625;30781,30886;31067,31174;31759,31916;34209,34300;34432,34599;34720,3489
5;35108,35233;37438,37487;40723,40795;42331,42398;42722,42804;44145,44639

38132 110,44248 1,248;807,1036;5040,5123;7581,7657;10497,10602
;10802,10918;12717,12852;12962,13089;15348,15446;16084,16175;19515,19626;19858,1
9955;20428,20542;21571,21713;21927,22048;27447,27511;27604,27766;28141,28295;285
38,28605;29175,29268;30260,30418;30545,30625;30781,30886;31067,31174;31759,31916
;34209,34300;34432,34599;34720,34895;35108,35233;37438,37487;40723,40795;42331,4
2398;42722,42804;44145,44639

38132 110,44248 33,248;807,1036;5040,5123;7581,7657;10497,1060
2;10802,10918;12717,12852;12962,13089;15348,15446;16084,16175;19515,19626;19858,
19955;20428,20542;21571,21713;21927,22048;27447,27511;27604,27766;28141,28295;28
538,28605;29175,29268;30260,30418;30545,30625;30781,30886;31067,31174;31759,3191
6;34209,34300;34432,34599;34720,34895;35108,35233;37438,37487;40723,40795;42331,
42398;42722,42804;44145,44639

38133 783,8498 1,482;571,915;2161,2233;2455,2582;2857,2921;324
4,3344;3577,3723;3939,3993;4334,4402;4748,4805;4900,5085;6027,6180;6554,6706;816
0,8266;8364,10430

38133 783,8498 1,482;571,938;2106,2233;2455,2582;2857,2921;324
4,3344;3577,3723;3939,3993;4334,4402;4748,4805;4900,5085;6027,6180;6554,6706;816
0,8266;8364,10430

38133 2185,8498 302,482;571,938;2106,2233;2455,2582;3244,3344;
3577,3723;3939,3993;4334,4402;4748,4805;4900,5085;6027,6180;6554,6706;8160,8266;
8364,9218

38134 72,41057 1,235;5717,6249;10089,10299;11374,11567;16331,1
6420;19334,19454;22020,22109;23038,23179;25126,25334;25683,25801;26734,26886;281
79,28274;33326,33517;36897,37052;37619,37721;39423,39608;40295,40457;40976,41077
;47876,49023

38134 72,41057 68,235;5717,6249;10089,10299;11374,11567;16331,
16420;19334,19454;22020,22109;23038,23179;25126,25334;25683,25801;26734,26886;28
179,28274;33326,33517;36897,37052;37619,37721;39423,39608;40295,40457;40976,4107
7;47876,49435

38135 69,29002 1,167;2136,2345;14829,14909;26061,26215;26301,2
6418;26516,26617;26695,26907;26990,27151;27221,27301;27371,27440;27522,27654;277
31,27911;27991,28279;28493,28577;28662,28769;28848,29001

38135 69,29002 1,167;2136,2345;14829,14909;26061,26215;26301,2
6418;26516,26617;26695,26907;26990,27151;27221,27301;27371,27440;27522,27654;277
31,27911;27991,28279;28493,28577;28662,28769;28848,29065

38136 1,136 1,135

38137 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;

7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,1682

7;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;42866,43138;44255,44437;47768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;54989,55258;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;63694,63960;64054,64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75611

38137 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,16827;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;42866,43138;44255,44437;47768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;54989,55258;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;63694,64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75611

38137 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,16827;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;42866,43138;44255,44437;47768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;54989,55258;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;63769,63960;64054,64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75611

38137 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,16827;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;42866,43138;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;54989,55258;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;63694,64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75203

38137 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,16827;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;44255,44437;47768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;54989,55258;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;63694,63960;64054,64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75611

38137 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,16827;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;44255,44437;47768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;54989,55258;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;63694,64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75611

38137 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,16827;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;44255,44437;47768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;54989,55258;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;63769,

63960;64054,64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75611

38137 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,16827;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;44255,44437;47768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;54989,55258;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;64054,64160;65637,65775;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75207

38137 267,68057 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,16827;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;44255,44437;47768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;54989,55258;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;64054,64160;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75203

38137 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,16827;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;44255,44437;47768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;54989,55258;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75207

38137 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,16827;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;44255,44437;47768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;63694,64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75611

38137 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,16827;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;44255,44437;47768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;63769,63960;64054,64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75611

38137 267,74515 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,16827;21111,21232;25955,26135;26330,26506;27643,27771;27872,27961;28748,28942;29559,29831;31414,31680;36718,36812;38221,38389;38846,38932;41350,41541;44255,44437;47768,47857;49111,49380;51093,51209;51885,52049;52586,52741;53744,53857;56752,56939;57807,57894;59395,59571;60351,60440;60676,60855;62658,62747;64054,64160;65637,65775;68042,68206;70439,70564;71084,71190;73990,74100;74443,75611

38137 267,21266 1,414;1245,1373;2608,2745;4105,4236;5217,5354;
7731,7889;10784,10975;11744,11923;12543,12719;13826,13978;15268,15396;16684,16827;21111,21407

38138 262,1564 1,52;263,323;477,648;758,1023;1151,1314;1400,1877

77

38138 262,1564 262,323;477,648;758,1023;1151,1314;1400,1877

38138 262,1564 263,323;477,648;758,1023;1151,1314;1400,1877
 38139 190641,194106 1,51;32750,32763;190640,190686;191265,1912
 91;192299,192470;192976,193241;193552,193697;193797,194239
 38139 185941,187238 185708,185730;185941,186001;186155,186326;
 186436,186661;186666,186702;186830,186993;187079,187556
 38139 185941,187235 185730,186001;186161,186326;186436,186661;
 186666,186702;186830,186993;187079,187556
 38139 185941,187244 185940,186001;186155,186326;186436,186702;
 186830,186993;187079,187556
 38140 70,12400 1,243;1759,1809;5467,5528;9654,9735;10401,10473
 ;12320,12857
 38140 70,12400 34,243;1759,1809;5467,5528;9654,9735;10401,1047
 3;12320,12857
 38141 299,13363 14,500;2103,2161;11849,11975;12242,12352;13286
 ,13425;15395,15478;15649,15762;16958,17142;20205,20238
 38141 2147,13363 1,500;2103,2161;11849,11975;12242,12352;13286
 ,13425;15396,15482;16959,17142;20206,20325
 38141 2147,16994 1,500;2103,2161;11849,11975;12242,12352;13291
 ,13425;15396,15482;16959,17142;20206,20325
 38141 256,15682 256,354;359,500;2103,2161;11849,11975;12242,12
 352;13291,13425;15396,15482;15650,15762;16959,17142
 38142 0,1023 1,81;84,258;472,539;541,1023
 38143 127,83913 1,274;1876,2017;6681,6802;13299,13465;15078,15
 320;16227,16415;23620,23784;28232,28387;33591,33725;34021,34183;44659,44699;4594
 4,46089;48233,48338;48498,48614;48961,49036;49749,49854;59938,59973;61564,61599;
 62293,62391;63425,63509;64157,64237;66250,66387;68386,68511;69450,69549;69774,70
 015;70115,70281;71340,71409;72234,72391;74150,74242;78462,78564;79109,79219;7959
 0,79710;79857,79987;80973,81051;81185,81293;81628,81731;82504,82637;83144,83206;
 83775,84017
 38143 127,83913 1,274;1876,2017;6681,6802;13299,13465;15078,15
 320;16227,16415;23620,23784;28232,28387;33591,33725;34021,34183;44659,44699;4594
 4,46089;48233,48338;48498,48614;48961,49036;49749,49854;59941,59973;61564,61599;
 62293,62391;63425,63509;64157,64237;66250,66387;68386,68511;69450,69549;69774,70
 015;70115,70281;71340,71409;72234,72391;74150,74242;78462,78564;79106,79219;7959
 0,79710;79857,79987;80973,81051;81185,81293;81628,81731;82504,82637;83144,83206;
 83775,84017
 38144 184,14482 1,268;2654,2821;3667,3783;5049,5126;5562,5684;
 8941,9050;9324,9489;12591,12673;14440,14705
 38144 184,14482 2,268;2654,2821;3667,3783;5049,5126;5562,5684;
 8941,9050;9324,9489;12591,12673;14440,14705
 38145 20,10969 1,166;2967,3104;3189,3287;3375,3493;4869,4961;5
 053,5181;5259,5374;8542,8626;8713,8812;8909,9077;9190,9267;9451,9565;10830,11236
 38145 20,10969 8,166;2967,3104;3189,3287;3375,3493;4869,4961;5
 053,5181;5259,5374;8542,8626;8713,8812;8909,9077;9190,9267;9451,9565;10830,11237
 38146 137,17655 1,273;10239,10382;12364,13207;13737,13841;1470
 7,14750;16153,16225;16331,16468;16803,16889;17216,17290;17649,18702
 38146 236,17655 1,273;10239,10382;12364,13207;13737,13841;1470
 7,14750;16153,16225;16331,16468;16803,16889;17216,17290;17649,18703
 38147 492,24062 117,543;3249,3319;3591,3878;4855,5251;7226,738
 1;7633,7965;8878,9002;10165,10330;13501,13603;13806,13870;14314,14427;14528,1477

5;19942,20157;20953,21102;21828,22021;22201,22356;23932,24957
38147 492,24062 1,543;3249,3319;3591,3878;4855,5251;7226,7381;
7633,7965;8878,9002;10165,10330;13501,13603;13806,13870;14314,14427;14528,14775;
19942,20157;20953,21102;21828,22021;22201,22356;23932,24957
38147 492,24062 407,543;3249,3319;3591,3878;4855,5251;7226,738
1;7633,7965;8878,9002;10165,10330;13501,13603;13806,13870;14314,14427;14528,1477
5;19942,20157;20953,21102;21828,22021;23932,24957
38148 4464,21535 1,20;4415,4596;4816,4911;12311,12398;18389,18
520;19192,19278;19462,19560;19824,19931;20008,20084;20289,20366;20795,20923;2110
3,21206;21346,23487
38149 506,68750 1,688;43944,44020;49978,50116;50446,50604;5665
8,56804;68744,69841
38149 605,68750 450,688;43944,44020;49978,50116;50446,50604;56
658,56804;68744,69955
38150 92,16437 1,160;1726,1944;9024,9219;10285,10475;12037,121
74;12335,12499;13685,13748;14529,14645;16324,17419
38150 92,16437 37,160;1726,1944;9024,9219;10285,10475;12037,12
174;12335,12499;13685,13748;14529,14645;16324,17421
38151 3371,212150 1,78;3330,3467;71807,71958;121434,121476;123
699,124117;133648,133820;134491,134527;166087,166274;188359,188533;202543,202723
;205510,205630;210505,210620;212061,212704;212840,213564
38151 3371,212150 41,78;3330,3467;71807,71958;121434,121476;12
3699,124117;133648,133820;134491,134527;166087,166274;188359,188533;202543,20272
3;205510,205630;210505,210620;212061,213564
38152 49,633151 1,161;166722,166892;176588,176700;214977,21521
9;260705,260884;263763,263852;265783,265900;271309,271487;282380,282479;294510,2
94670;307009,307149;309484,309657;366916,367017;368888,369099;377515,377626;3839
10,384023;387428,387555;396865,396951;404651,404862;408418,408524;414489,414669;
417540,417676;429665,429901;431459,431602;432280,432459;432566,432754;432842,432
975;437342,437459;445082,445216;459147,459271;466102,466188;469968,470161;483023
,483165;486696,486794;499926,500037;508295,508457;509849,510059;518028,518144;51
9128,519291;520625,520763;544556,544658;555450,555566;557620,557802;559026,55903
1;562471,562625;569792,569935;570959,571092;573139,573298;577004,577128;581094,5
81256;581949,582093;590018,590156;592194,592205;595497,595617;598067,598243;6032
78,603426;608705,608881;609119,609287;619463,619575;619895,620084;622004,622159;
624293,624446;629167,629297;631177,631399;632994,633367
38152 49,633151 1,161;166722,166892;176588,176700;214977,21521
9;260705,260884;263763,263852;265783,265900;271309,271487;282380,282479;294510,2
94670;307009,307149;309484,309657;366916,367017;368888,369099;377515,377626;3839
10,384023;387428,387555;396865,396951;404651,404862;408418,408524;414489,414669;
417540,417676;429665,429901;431459,431602;432280,432459;432566,432754;432842,432
975;437342,437459;445082,445216;459147,459271;466102,466188;469968,470161;483023
,483165;486696,486794;499926,500037;508295,508457;509849,510059;518028,518144;51
9128,519291;520625,520763;544556,544658;555450,555566;557620,557802;559867,55987
2;562471,562625;569792,569935;570959,571092;573139,573298;577004,577128;581094,5
81256;581949,582093;590018,590156;592194,592205;595497,595617;598067,598243;6032
78,603426;608705,608881;609119,609287;619463,619575;619895,620084;622004,622159;
624293,624446;629167,629297;631177,631399;632994,633367
38152 49,633151 1,161;166722,166892;176588,176700;214977,21521
9;260705,260884;263763,263852;265783,265900;271309,271487;282380,282479;294510,2

94670;307009,307149;309484,309657;366916,367017;368888,369099;377515,377626;3839
10,384023;387428,387555;396865,396951;404651,404862;408418,408524;414489,414669;
417540,417676;429665,429901;431459,431602;432280,432459;432566,432754;432842,432
975;437342,437459;445082,445216;459147,459271;466102,466188;469968,470161;483023
,483165;486696,486794;499926,500037;508295,508457;509849,510059;518028,518144;51
9128,519291;520625,520763;544556,544658;555450,555566;557620,557802;562471,56262
5;569792,569935;570959,571092;573139,573298;577004,577128;581094,581256;581949,5
82093;590018,590156;595205,595216;595497,595617;598067,598243;603278,603426;6087
05,608881;609119,609287;619463,619575;619895,620084;622004,622159;624293,624446;
629167,629297;631177,631399;632994,633367
38152 49,633116 50,161;166722,166892;176588,176700;214977,2152
19;260705,260884;263763,263852;265783,265900;271309,271487;282380,282479;294510,
294670;307009,307149;309484,309657;366916,367017;368888,369099;377515,377626;383
910,384023;387428,387555;396865,396951;404651,404862;408418,408524;414489,414669
;417540,417676;429665,429901;431459,431602;432280,432459;432566,432754;432842,43
2975;437342,437459;445082,445216;459147,459271;466102,466188;469968,470161;48302
3,483165;486696,486794;499926,500037;508295,508457;509849,510059;518028,518144;5
19128,519291;520625,520763;544556,544658;555450,555566;557620,557802;562471,5626
25;569792,569935;570959,571092;573139,573298;577004,577128;581094,581256;581949,
582093;590018,590156;595205,595216;595497,595617;598067,598243;603278,603426;608
705,608881;609119,609287;619463,619575;619895,620084;622004,622159;624293,624446
;629167,629297;631177,631399;632994,633073;633078,633116
38153 1,15210 1,359;3616,3755;5648,5734;5913,6015;7178,7361;10
418,10506;15113,16970
38154 62,316615 1,119;206,323;985,1074;1774,1976;305378,305497
;314358,314552;314990,315099;316525,316617;331908,332350
38154 36399,41992 36400,36577;36650,36662;39683,39822;41708,41
794;41961,41992
38154 69735,79412 69736,69770;71404,71587;74638,74726;79316,79
486
38155 7242,9423 1,571;5208,5359;5476,5646;5728,5779;5866,6328;
7232,7299;9274,9633
38155 7242,9423 1,571;5208,5359;5476,5646;5728,5779;5866,6328;
7232,7299;9274,9638
38155 7242,9423 31,571;7232,7299;9274,9638
38156 162631,263789 143305,143324;147798,147914;155426,155572;
159385,159441;162593,162655;162658,162732;170669,170792;170993,171136;172493,172
657;173269,173307;173479,173617;176194,176336;178419,178528;182166,182324;190069
,190146;193290,193376;202567,202620;206490,206585;208091,208144;208502,208555;22
4699,224752;225222,225293;233883,233918;234938,235004;237933,238121;259729,25980
6;261888,262043;263710,264585
38156 89473,159461 1,72;40364,40488;50688,50804;54984,55127;60
719,60805;89349,89504;90369,90488;91960,92124;96267,96428;99501,99652;100790,100
919;102314,102459;105006,105135;108909,109048;117646,117772;119185,119324;119778
,119910;121268,121327;124025,124176;136437,136566;140171,140293;143175,143324;14
7798,147914;155426,155572;159385,159461
38156 40400,263789 17671,17898;40364,40488;50688,50804;54984,5
5127;60719,60805;89349,89504;90369,90488;91960,92124;96267,96428;99501,99652;100
790,100919;102314,102459;105006,105135;108909,109048;117646,117772;119185,119324
;119778,119910;121268,121327;124025,124176;136437,136566;140171,140293;143175,14

3324;147798,147914;155426,155572;159385,159441;162593,162732;170669,170792;17099
 3,171136;172493,172657;173269,173307;173479,173617;176194,176336;178419,178528;1
 82166,182324;190069,190146;193290,193376;202567,202620;206490,206585;208091,2081
 44;208502,208555;224699,224752;225222,225293;233883,233918;234938,235004;237933,
 238121;259729,259806;261888,262043;263710,264590
 38156 89359,109051 89360,89504;96267,96428;99501,99652;100790,
 100919;102314,102459;105006,105135;108909,109051
 38157 79,30762 1,172;10755,10906;11470,11549;13301,13319;18457
 ,18660;23284,23453;23923,23959;30666,31438
 38157 58,64364 59,172;10755,10906;11470,11545;12824,13191;2328
 4,23453;23923,23959;37919,38107;41293,41438;47715,48159;49352,49532;50115,50235;
 57525,57640;64275,66382
 38157 79,64364 59,172;10755,10906;11470,11545;12824,13191;2328
 4,23453;23923,23959;37919,38107;41293,41438;47715,48159;49352,49532;50115,50235;
 57525,57640;64275,66382
 38157 79,64364 80,172;10755,10906;11470,11545;17066,17088;1845
 7,18660;23284,23453;23923,23959;41293,41438;47715,48159;49352,49532;50115,50235;
 57525,57640;64275,66383
 38157 79,64364 80,172;10755,10906;11470,11545;41300,41438;4771
 5,48159;49352,49532;50115,50235;57525,57640;64275,66383
 38158 294,194624 1,360;9833,9938;10561,10586;20586,20693;12475
 9,124836;125845,125928;137717,137841;138737,138800;139158,139295;174361,174438;1
 79875,179987;194531,194632;195067,197652
 38158 294,194624 1,360;9833,9938;10561,10586;20586,20693;12475
 9,124836;125845,125928;137717,137841;138737,138800;139158,139295;174361,174438;1
 79875,179987;194531,194632;195067,197653
 38159 152,49996 1,233;28287,28446;28703,28830;29042,29112;2991
 2,30069;30286,30321;30627,30867;34322,34461;34813,34910;36512,36621;36743,36873;
 38014,38118;38481,38591;38681,38794;39120,39242;40124,40310;48583,48857;49615,49
 751;49835,50534
 38160 335,114495 1,377;493,807;78206,78259;88840,89169;114331,
 114494
 38160 19004,19512 19004,19046;19168,19511
 38160 37026,37502 35657,37071;37182,37925
 38160 37473,114495 37196,37505;80877,80931;88840,89169;114331,
 114494
 38160 88852,89029 80871,80931;88840,89169;92300,92347;94288,94
 875
 38160 89025,94431 80871,80931;88840,89169;92300,92347;94288,94
 875
 38160 88839,114495 88839,89169;105180,105275;114352,114923
 38161 23040,352774 1,154;980,1055;23025,23132;27573,27643;1343
 12,134427;145933,146019;148642,148800;150685,150783;151936,152019;152131,152277;
 158672,158767;160391,160435;164673,164827;167537,167636;168631,168791;169614,169
 755;171687,171845;173926,174098;176203,176322;177278,177475;179685,179936;180751
 ,180892;181617,181797;183163,183350;187102,187240;187913,187971;189939,190100;19
 0177,190347;190830,190895;191618,191755;195044,195169;197693,197893;200039,20029
 0;203696,203821;206362,206490;209379,209499;212716,212900;216874,217022;218306,2
 18417;223916,223948;232095,232130;233675,233722;239637,239769;241713,241903;2730
 79,273259;275060,275313;281791,281991;283813,283923;286099,286194;289168,289290;

290365, 290469; 294496, 294688; 301614, 301736; 306974, 307149; 312652, 312816; 317814, 318009; 319691, 319783; 320972, 321111; 321602, 321767; 324631, 324791; 343323, 343484; 352688, 353052

38161 23040, 352774 1, 154; 980, 1055; 23025, 23132; 27573, 27643; 134312, 134427; 145933, 146019; 148642, 148800; 150685, 150783; 151936, 152019; 152131, 152277; 158672, 158767; 164673, 164827; 167537, 167636; 168631, 168791; 169614, 169755; 171687, 171845; 173926, 174098; 176203, 176322; 177278, 177475; 179685, 179936; 180751, 180892; 181617, 181770; 183163, 183350; 187102, 187240; 187913, 187967; 189935, 190100; 190177, 190347; 190830, 190895; 191618, 191755; 195044, 195169; 197693, 197893; 200039, 200290; 203696, 203821; 206362, 206490; 209379, 209499; 212716, 212900; 216874, 217022; 218306, 218417; 239637, 239769; 241713, 241903; 273079, 273259; 275060, 275313; 281791, 281991; 283813, 283923; 286099, 286194; 289168, 289290; 290365, 290469; 294496, 294688; 301614, 301736; 306974, 307149; 312652, 312816; 317814, 318009; 319691, 319783; 320972, 321111; 321602, 321767; 324631, 324791; 343323, 343484; 352688, 353944

38161 23040, 352774 23041, 23132; 27573, 27643; 134312, 134427; 145933, 146019; 148642, 148800; 150685, 150783; 151936, 152019; 152131, 152277; 158672, 158767; 160391, 160435; 164673, 164827; 167537, 167636; 168631, 168791; 169614, 169755; 171687, 171845; 173926, 174098; 176203, 176322; 177278, 177475; 179685, 179936; 180751, 180892; 181617, 181770; 183163, 183350; 187102, 187240; 187913, 187971; 189939, 190100; 190177, 190347; 190830, 190895; 191618, 191755; 195044, 195169; 197693, 197893; 200039, 200290; 203696, 203821; 206362, 206490; 209379, 209499; 212716, 212900; 216874, 217022; 218306, 218417; 239637, 239769; 241713, 241903; 273079, 273259; 275060, 275313; 281791, 281991; 283813, 283923; 286099, 286194; 289168, 289290; 290365, 290469; 294496, 294688; 301614, 301736; 306974, 307149; 312652, 312816; 317814, 318009; 319691, 319783; 320972, 321111; 321602, 321767; 324631, 324791; 343323, 343484; 352688, 352774

38161 23040, 352774 23041, 23132; 27573, 27643; 134312, 134427; 145933, 146019; 148642, 148800; 150685, 150783; 151936, 152019; 152131, 152277; 158672, 158767; 160391, 160435; 164673, 164827; 167537, 167636; 168631, 168791; 169614, 169755; 171687, 171845; 173926, 174098; 176203, 176322; 177278, 177475; 179685, 179936; 180751, 180892; 181617, 181797; 183163, 183350; 187102, 187240; 187913, 187971; 189939, 190100; 190177, 190347; 190830, 190895; 191618, 191755; 195044, 195169; 197693, 197893; 200039, 200290; 203696, 203821; 206362, 206490; 209379, 209499; 212716, 212900; 216874, 217022; 218306, 218417; 223916, 223948; 232095, 232130; 239637, 239769; 241713, 241903; 273079, 273259; 275060, 275313; 281791, 281991; 283813, 283923; 286099, 286194; 289168, 289290; 290365, 290469; 294496, 294688; 301614, 301736; 306974, 307149; 312652, 312816; 317814, 318009; 319691, 319783; 320972, 321111; 321602, 321767; 324631, 324791; 343323, 343484; 352688, 352774

38161 23040, 352774 6, 154; 980, 1055; 23025, 23132; 27573, 27643; 134312, 134427; 145933, 146019; 148642, 148800; 150685, 150783; 151936, 152019; 152131, 152277; 158672, 158767; 164673, 164827; 167537, 167636; 168631, 168791; 169614, 169755; 171687, 171845; 173926, 174098; 176203, 176322; 177278, 177475; 179685, 179936; 180751, 180892; 181617, 181797; 183163, 183350; 187102, 187240; 187913, 187971; 189939, 190100; 190177, 190347; 190830, 190895; 191618, 191755; 195044, 195169; 197693, 197893; 200039, 200290; 203696, 203821; 206362, 206490; 209379, 209499; 212716, 212900; 216874, 217022; 218306, 218417; 223916, 223948; 232095, 232130; 233675, 233722; 239637, 239769; 241713, 241903; 273079, 273259; 275060, 275313; 281791, 281991; 283813, 283923; 286099, 286194; 289168, 289290; 290365, 290469; 294496, 294688; 301614, 301736; 306974, 307149; 312652, 312816; 317814, 318009; 319691, 319783; 320972, 321111; 321602, 321767; 324631, 324791; 343323, 343484; 352688, 353946

38162 343, 12777 1, 487; 2152, 2241; 2453, 2504; 5142, 5311; 5774, 5867; 6069, 6205; 7505, 7601; 9403, 9496; 9915, 9996; 10592, 10696; 10804, 10876; 12644, 13378

38163 91, 92591 1, 320; 28204, 28325; 39136, 39235; 40914, 41048; 43218

, 43271; 47869, 48013; 55561, 55661; 58760, 58894; 61820, 61906; 67672, 67741; 72670, 72802; 74704, 74813; 74975, 75134; 91370, 91506; 92479, 93609

38163 91, 92591 1, 320; 28204, 28325; 39136, 39235; 40914, 41048; 43218
, 43271; 47869, 48013; 55561, 55661; 58769, 58894; 61820, 61906; 67672, 67741; 72670, 72802; 74704, 74813; 74975, 75134; 91370, 91506; 92479, 93609

38163 93, 92591 93, 137; 143, 320; 28204, 28325; 39136, 39235; 40914, 41048; 43218, 43271; 47869, 48013; 55561, 55667; 58769, 58894; 61820, 61906; 67672, 67741; 72670, 72802; 74704, 74813; 74975, 75134; 91370, 91506; 92479, 93150

38164 101, 11071 1, 180; 1386, 1492; 2132, 2208; 2625, 2703; 2865, 2941; 3029, 3221; 4505, 4567; 4647, 4715; 4795, 4964; 5101, 5185; 5668, 5816; 5903, 6077; 6352, 6444; 6566, 6870; 6961, 7156; 7425, 7502; 8617, 8689; 8920, 9058; 10960, 11084; 11175, 11491

38164 101, 11217 1, 180; 1386, 1492; 2132, 2208; 2625, 2703; 2865, 2941; 3029, 3221; 4505, 4567; 4647, 4715; 4795, 4964; 5101, 5185; 5668, 5816; 5903, 6077; 6352, 6444; 6566, 6870; 6961, 7156; 7425, 7502; 8617, 8689; 8920, 9058; 9478, 9547; 10130, 10204; 10619, 10690; 10960, 11084; 11175, 11491

38164 101, 11217 1, 180; 1386, 1492; 2132, 2208; 2625, 2703; 2865, 2941; 3029, 3221; 4505, 4567; 4647, 4715; 4795, 4964; 5101, 5185; 5668, 5816; 5903, 6077; 6352, 6444; 6566, 6870; 6961, 7156; 7425, 7502; 8617, 8689; 8920, 9058; 9478, 9547; 10130, 10204; 10960, 11084; 11175, 11491

38164 101, 11217 1, 180; 1386, 1492; 2132, 2208; 2625, 2703; 2865, 2941; 3029, 3221; 4505, 4567; 4647, 4715; 4795, 4964; 5101, 5185; 5668, 5816; 5903, 6077; 6352, 6444; 6566, 6870; 6961, 7156; 7425, 7502; 8617, 8689; 8920, 9058; 9478, 9547; 10133, 10204; 10619, 10690; 10960, 11084; 11175, 11491

38164 101, 11217 1, 180; 1386, 1492; 2132, 2208; 2625, 2703; 2865, 2941; 3029, 3221; 4505, 4567; 4647, 4715; 4795, 4964; 5101, 5185; 5668, 5816; 5903, 6077; 6352, 6444; 6566, 6870; 6961, 7156; 7425, 7502; 8617, 8689; 8920, 9058; 9478, 9547; 10619, 10690; 10960, 11084; 11175, 11491

38164 101, 11217 1, 180; 1386, 1492; 2132, 2208; 2625, 2703; 2865, 2941; 3029, 3221; 4505, 4567; 4647, 4715; 4795, 4964; 5101, 5185; 5668, 5816; 5903, 6077; 6352, 6444; 6566, 6870; 6961, 7156; 7425, 7502; 8617, 8689; 8920, 9058; 9478, 9547; 10960, 11084; 11175, 11491

38165 11658, 12291 1, 83; 2379, 2639; 11631, 11952; 11955, 12041; 12043, 13207; 14362, 14585

38166 190641, 194106 1, 51; 32750, 32763; 190640, 190686; 191265, 191291; 192299, 192470; 192976, 193241; 193552, 193697; 193797, 194239

38166 185941, 187238 185708, 185730; 185941, 186001; 186155, 186326; 186436, 186661; 186666, 186702; 186830, 186993; 187079, 187556

38166 185941, 187235 185730, 186001; 186161, 186326; 186436, 186661; 186666, 186702; 186830, 186993; 187079, 187556

38166 185941, 187244 185940, 186001; 186155, 186326; 186436, 186702; 186830, 186993; 187079, 187556

38167 144, 16233 1, 229; 4766, 4821; 5445, 5557; 5848, 5922; 6038, 6184; 6333, 6410; 6603, 6754; 6830, 6893; 12962, 13021; 13110, 13233; 14397, 14567; 14958, 15607; 15908, 16010; 16162, 17052

38167 1455, 16233 467, 889; 1268, 1546; 4766, 4821; 5445, 5557; 5848, 5922; 6038, 6184; 6333, 6410; 6603, 6754; 6830, 6893; 12962, 13021; 13110, 13233; 14397, 14567; 14958, 15607; 15908, 16010; 16162, 17052

38168 127, 11992 127, 286; 2610, 2701; 2957, 3040; 3120, 3215; 3838, 3986; 4259, 4352; 4606, 4812; 4889, 5152; 7445, 7530; 9727, 9838; 10551, 10708; 10814, 10911; 11083, 11129; 11419, 11508; 11839, 11991

38168 127, 11992 1, 286; 2610, 2701; 2957, 3040; 3120, 3215; 3838, 3986;
4259, 4352; 4606, 4812; 4889, 5152; 7445, 7530; 9727, 9838; 10551, 10708; 10814, 10911; 11083,
11129; 11419, 11508; 11839, 12229; 12275, 12761

38168 2420, 11992 2420, 2701; 2957, 3040; 3120, 3215; 3838, 3986; 4259,
4352; 4606, 4812; 4889, 5137; 7445, 7530; 9727, 9838; 10551, 10708; 10814, 10911; 11083, 11129
; 11419, 11433; 11438, 11470; 11476, 11508; 11839, 11991

38168 2420, 11992 2420, 2701; 2957, 3040; 3120, 3215; 3838, 3986; 4259,
4352; 4606, 4812; 4889, 5152; 7445, 7530; 9727, 9838; 10551, 10708; 10814, 10911; 11083, 11129
; 11419, 11508; 11839, 11991

38168 2420, 11992 2420, 2701; 2957, 3040; 3120, 3215; 3838, 3986; 4259,
4352; 4606, 4812; 4889, 5152; 7445, 7530; 9727, 9838; 10551, 10708; 10814, 10911; 11083, 11129
; 11839, 11991

38168 2420, 11514 2420, 2701; 2957, 3040; 3120, 3215; 3838, 3986; 4259,
4352; 4606, 4812; 4889, 5152; 7445, 7530; 9727, 9838; 10551, 10708; 10814, 10911; 11419, 11513

38169 2, 96962 1, 195; 59885, 60041; 71272, 71403; 82417, 82509; 87508,
87647; 91876, 92032; 94424, 94534; 95445, 95525; 96773, 97690

38169 191, 94453 5, 195; 59885, 60041; 71272, 71403; 82417, 82509; 8750
8, 87647; 91876, 91896; 94452, 94534; 95445, 95525; 96773, 97693

38169 191, 96962 5, 195; 59885, 60041; 71272, 71403; 82417, 82509; 8750
8, 87647; 91876, 92032; 94424, 94534; 95445, 95525; 96773, 97693

38169 191, 94453 5, 195; 59885, 60041; 71272, 71403; 82417, 82509; 8754
1, 87647; 91876, 91896; 94452, 94534; 95445, 95525; 96773, 97693

38169 191, 96962 5, 195; 59885, 60041; 71272, 71403; 82417, 82509; 8754
1, 87647; 91876, 92032; 94424, 94534; 95445, 95525; 96773, 97693

38170 29997, 52455 1134, 1286; 29997, 30080; 32165, 32260; 33785, 3405
9; 34641, 34724; 35702, 35848; 42864, 42960; 47961, 48124; 48474, 48604; 49424, 49584; 49950,
50042; 51856, 52107; 52290, 53619

38170 1275, 52455 1141, 1286; 29997, 30080; 32165, 32260; 33785, 34059
; 34641, 34724; 35702, 35848; 42864, 42960; 47961, 48124; 48474, 48604; 49424, 49584; 49950, 5
0042; 51856, 52107; 52290, 53622

38170 2, 52455 1, 51; 1202, 1286; 29997, 30080; 32165, 32260; 33785, 340
59; 34641, 34724; 35702, 35848; 42864, 42960; 47961, 48124; 48474, 48604; 49424, 49584; 49950
, 50042; 51856, 52107; 52290, 53619

38170 1275, 52455 5, 51; 1202, 1286; 29997, 30080; 32165, 32260; 33785,
34059; 34641, 34724; 35702, 35848; 42864, 42960; 47961, 48124; 48474, 48604; 49424, 49584; 49
950, 50042; 51856, 52107; 52290, 53619

38171 1493, 5953 1, 13; 1298, 1640; 2436, 2668; 2990, 3133; 3138, 3234; 3
767, 3925; 4174, 4259; 4782, 4895; 5533, 5671; 5786, 6506

38171 1493, 5953 1493, 1640; 2436, 2668; 2990, 3133; 3138, 3234; 3767, 3
925; 4174, 4259; 4782, 4895; 5105, 5170; 5533, 5671; 5786, 5952

38171 1493, 5953 151, 630; 1298, 1640; 2436, 2668; 2990, 3133; 3138, 323
4; 3767, 3925; 4174, 4259; 4782, 4895; 5533, 5671; 5786, 6506

38171 1493, 5953 153, 630; 1298, 1640; 2436, 2668; 2990, 3234; 3767, 392
5; 4174, 4259; 4782, 4895; 5533, 5671; 5786, 6508

38172 121160, 134709 117347, 117488; 121151, 121244; 124082, 124177;
125558, 125616; 128011, 128080; 128818, 128951; 129567, 129789; 130586, 130783; 131976, 132
177; 132725, 132833; 133123, 133181; 134639, 135064

38172 121160, 134709 1, 29; 117400, 117488; 121151, 121244; 124082, 12
4177; 125558, 125616; 128011, 128080; 128818, 128951; 129567, 129789; 130586, 130783; 13197
6, 132177; 132725, 132833; 133123, 133181; 134639, 135064

38173 84,28483 1,100;692,839;6205,6350;17003,17176;17517,17632
;17750,17910;18009,18135;18264,18341;21228,21304;21420,21477;21569,21679;28418,2
9429

38174 69,21559 1,134;5596,5646;9473,9628;9745,9889;13041,13144
;13780,13899;18564,18678;18924,19103;20603,20780;21056,21154;21519,22554

38175 342,3680 1,79;320,371;2004,2103;2194,2300;2430,2520;2611
,2726;2819,2900;3094,3506;3611,3880

38175 342,3680 28,79;320,371;2004,2103;2194,2300;2430,2520;261
1,2726;2819,2900;3094,3506;3611,3880

38176 301,18149 174,403;1145,1281;1948,2125;4399,4487;7129,732
9;8920,9090;14996,15122;18123,18303

38176 301,22691 186,403;1145,1281;1948,2125;4399,4487;7129,732
9;8920,9090;14996,15122;18338,18511;22218,26664

38176 301,22691 1,92;106,149;159,403;1145,1281;1948,2125;4399,
4487;7129,7329;8920,9090;14996,15122;18338,18511;22218,23209

38176 301,13829 226,403;1145,1281;1948,2125;4399,4487;7129,732
9;8920,9090;13769,13898;14996,15122;18123,18304

38177 94,73939 1,171;68070,68130;69930,70137;73887,73939

38177 30344,90785 30025,30505;31466,31581;62284,63397;68070,68
130;69930,70137;73887,73939;78924,79049;81232,81308;82986,83029;85049,85209;8605
1,86157;89461,89581;90717,93537;93546,95789

38177 30344,90785 30025,30505;31466,31581;62284,63397;68070,68
130;69930,70137;73887,73939;78924,79049;81232,81308;82986,83029;85049,85209;8605
1,86157;89461,89581;90717,95789

38177 94,73939 39,171;66752,66787;68070,68130;69930,70137;7388
7,73939

38177 63353,90785 63354,63397;66752,66787;68070,68130;69930,70
137;73887,73939;78924,79049;81232,81308;82986,83029;85049,85209;86051,86157;8946
1,89581;90717,90879

38178 19,180649 1,101;31937,32047;81671,81793;91008,91133;1175
49,117695;130484,130612;143009,143134;155277,155420;155899,156030;157189,157323;
158551,158676;159790,159926;172468,172594;175472,175600;180522,181196

38178 97,180649 1,101;31937,32047;81671,81793;91008,91133;1175
49,117695;130484,130612;143009,143134;155277,155420;155899,156030;157189,157323;
158551,158676;159790,159926;172468,172594;175472,175600;180522,181196

38178 31938,180649 31939,32047;81671,81793;91008,91133;130484,
130612;143009,143134;155277,155420;155899,156030;157189,157323;158551,158676;159
787,159926;172468,172594;175472,175600;180522,180649

38179 262,61916 103,379;2499,2604;8230,8416;15777,15878;21902,
22027;22816,23002;25429,25522;32714,32812;33694,33779;35195,35314;37394,37476;39
413,39476;43899,43966;50628,50719;51864,51954;54179,54443;54744,54825;61726,6203
5

38179 262,61916 1,379;2499,2604;8230,8416;15777,15878;21902,22
027;22816,23002;25429,25522;32714,32812;33694,33779;35195,35314;37394,37476;3941
3,39476;43899,43966;50628,50719;51864,51954;54179,54443;54744,54825;59940,60032;
61726,62033

38179 262,61916 1,379;2499,2604;8230,8416;15777,15878;21902,22
027;22816,23002;25429,25522;32714,32812;33694,33779;35195,35314;37394,37476;3941
3,39476;43899,43966;50628,50719;51864,51954;54179,54443;54744,54825;59940,60032;
61726,62035

38179	262,15903	261,447;1797,1893;2499,2604;8230,8416;15777,15909
38179	262,25522	262,379;2499,2604;8230,8416;15777,15878;21902,22027;25429,25522;32714,32812;33694,33779;35195,35314;37394,37405
38180	5413,5680	1,202;2492,2567;3285,3332;5360,5740
38180	5413,25071	5413,5615;24661,24835;24840,25070
38181	394,24707	1,523;2646,2934;23917,25892
38181	394,24707	286,523;2646,2934;23917,25849
38182	14,80792	1,131;33762,34006;58255,58389;58635,58739;61940,61990;62610,62666;64031,64123;66827,66965;67768,67895;76946,77002;77947,78018;78699,79130;80684,81292
38183	6938,9906	1,36;6913,7161;7659,7802;8068,8823;9632,10405
38183	6938,9906	4617,7161;7659,7802;8068,8823;9632,10408
38184	184,17294	1,191;467,534;3148,3213;3305,3383;4341,4472;7734,7843;8140,8293;12509,12669;14586,14783;15053,15244;15615,15691;17108,19314
38185	2,4649	1,135;2024,2273;3488,3632;4638,4924
38185	86,4649	5,135;2024,2273;3488,3632;4638,4924
38186	116,17210	1,428;4131,4281;5193,5333;5457,5528;6139,6216;10230,10407;15077,15250;17153,19377
38186	116,17210	30,428;4131,4281;5193,5333;5439,5528;6094,6216;10230,10407;15077,15250;17153,19378
38187	116,17210	1,428;4131,4281;5193,5333;5457,5528;6139,6216;10230,10407;15077,15250;17153,19377
38187	116,17210	30,428;4131,4281;5193,5333;5439,5528;6094,6216;10230,10407;15077,15250;17153,19378
38188	903,1547	1,293;882,1040;1412,1642
38188	903,1547	20,293;882,1040;1412,1642
38189	72,34483	10,189;4451,4609;9110,9243;10311,10348;12064,12163;13004,13084;14494,14593;16162,16222;17936,18263;20484,20595;21631,21731;30123,30237;30458,30540;32194,32427;34354,35321
38189	72,34483	1,189;4451,4609;9110,9243;10311,10348;12064,12163;13004,13084;14494,14593;16162,16222;17936,18263;20484,20595;21631,21731;30123,30237;30458,30540;32194,32427;34354,36906
38190	8,16702	1,11;14258,14378;14887,15036;15248,15388;15576,15655;15933,16063;16338,16407;16598,16761
38190	13579,16702	13550,13582;14258,14378;14887,15036;15248,15388;15576,15655;15933,16063;16338,16407;16598,16761
38191	4199,9025	1,281;4193,4349;4756,4867;5456,5559;7921,8046;8876,10519
38192	111,15410	1,324;10957,11097;15183,16662
38192	111,15410	2,324;10957,11097;15183,16669
38193	664,68461	1,873;14008,14062;15495,15564;23891,24018;27123,27276;28416,28516;30789,30905;37980,38202;40140,40263;43833,44010;46048,46159;47355,47524;54424,54672;55815,55949;57102,57196;65942,66065;67179,67366;68287,71638
38194	7214,16712	1,99;7120,7354;9864,9980;11674,11845;13115,13301;14339,14526;16066,16259;16583,17458
38195	3612,23707	1,70;3521,3672;4968,5111;9488,9650;12479,12567;14452,14652;16087,16171;17198,17358;19867,20031;22138,22279;22588,22735;23638,24760

38195 3612,23707 31,70;3521,3672;4968,5111;14452,14652;16087,1
6171;17198,17358;19867,20031;22138,22279;22588,22735;23638,24760

38196 1157,9051 1,1216;1308,1469;2002,2162;2308,2478;2615,2705
;3316,3560;4175,4294;4924,5037;5149,5243;5849,5922;6060,6149;6829,6934;8528,8604
;8973,9247

38196 1157,9051 514,1216;1308,1469;2002,2162;2308,2478;2615,27
05;3316,3560;4175,4294;4924,5037;5149,5243;5849,5922;6060,6149;6829,6934;8528,86
04;8973,9247

38197 287,18583 1,342;6013,6155;7031,7128;18387,18405;18434,19
433

38197 287,18683 4,342;6013,6155;7031,7128;18434,19436

38197 287,18583 4,342;6013,6155;7031,7128;8000,8018;18434,1943
6

38197 6095,18583 5,342;5499,5593;6013,6155;7031,7128;8000,8018
;18434,19436

38197 287,18683 5,342;6013,6155;7031,7128;18434,19436

38198 65,57325 1,150;2371,2554;3378,3537;3703,3755;4463,4483;5
879,6047;6509,6593;8270,8390;9309,9423;9569,9678;11514,11675;14240,14467;14707,1
4770;16391,16533;17158,17307;20214,20375;20830,20941;22335,22449;24485,24713;254
32,25558;25891,26012;26663,26714;35737,35820;36099,36275;36583,36670;38057,38213
;38494,38568;38978,39158;41131,41354;43043,43261;43428,43555;45336,45426;46101,4
6169;47072,47174;47690,47731;57311,57324

38198 65,48092 23,150;2371,2554;3378,3537;3703,3755;5580,5600;
5879,6047;6509,6593;8270,8390;9309,9423;9569,9678;11514,11675;14240,14467;14707,
14770;16391,16533;17158,17307;20214,20375;20830,20941;22335,22449;24485,24713;25
432,25558;25891,26012;26663,26714;35737,35820;36099,36275;36583,36670;38057,3821
3;38494,38568;38978,39158;41131,41354;43043,43261;43428,43555;45336,45426;46101,
46169;47072,47174;47690,47731;48075,48200

38199 45,20567 1,164;5552,5671;18536,18715;20447,21609

38200 67010,151058 1,177;67011,67090;83887,83968;105753,105824
;106849,106955;137315,137424;150961,154283

38200 138,151058 39,177;67011,67090;83887,83968;105753,105824;
106849,106955;137315,137424;150961,154283

38201 67010,151058 1,177;67011,67090;83887,83968;105753,105824
;106849,106955;137315,137424;150961,154283

38201 138,151058 39,177;67011,67090;83887,83968;105753,105824;
106849,106955;137315,137424;150961,154283

38202 67010,151058 1,177;67011,67090;83887,83968;105753,105824
;106849,106955;137315,137424;150961,154283

38202 138,151058 39,177;67011,67090;83887,83968;105753,105824;
106849,106955;137315,137424;150961,154283

38203 5484,14023 1,393;529,942;5460,5694;5884,6006;6200,6301;6
682,6771;6933,6973;7344,7438;8964,9047;9258,9316;9473,9571;11977,12109;12614,127
19;12863,12913;13016,13151;13338,13391;13478,13541;13778,13833;13919,14466

38203 5484,14023 817,942;5465,5694;5884,6006;6200,6301;6682,67
71;6933,6973;7344,7438;8964,9047;9258,9316;9473,9571;11977,12109;12614,12719;128
63,12913;13016,13151;13338,13391;13478,13541;13778,13833;13919,14466

38204 2169,22388 1,139;2157,2262;4644,4756;13309,13376;14565,1
4657;18476,18536;22343,24042

38204 2169,22388 3,139;2157,2262;4644,4756;13309,13376;14565,1

4657;18476,18536;22343,24042

38205 19,9689 1,206;380,557;2715,2842;3158,3258;3367,3453;3999
,4086;4195,4292;4391,4556;5246,5446;8079,8244;8359,8442;9437,10104

38205 19,9689 20,206;4195,4292;4391,4556;5246,5446;8079,8244;8
359,8442;9437,9689

38205 19,9689 6,206;3158,3258;3367,3453;3999,4086;4195,4292;43
91,4556;5246,5446;8079,8244;8359,8442;9437,10105

38205 3096,9689 6,807;2039,3258;3367,3453;3999,4086;4195,4292;
4391,4556;8079,8244;8359,8442;9437,10105

38206 20849,72353 1,144;20828,20977;22578,22741;47562,47632;53
597,53699;59301,59430;63662,63821;64544,64801;66774,66887;72276,74022

38206 20849,72353 1,144;20828,20977;22578,22757;47578,47632;53
597,53699;59301,59430;63662,63821;64544,64801;66774,66887;72276,74025

38206 20849,72353 582,758;20828,20977;22578,22757;47578,47632;
53597,53699;59301,59430;63662,63821;64544,64801;66774,66887;72276,74025

38207 48,23681 1,134;3462,3546;3708,3814;6942,6968;7779,7841;1
0802,10859;11426,11477;11899,11958;13467,13560;15386,15433;16772,16839;19737,198
12;23594,25197

38208 166,45948 1,253;21211,21253;24422,24495;26274,26438;2821
5,28266;32309,32418;33752,33877;39626,39738;41083,41189;41770,41901;45838,45890;
45895,47880

38208 166,45948 21,253;21211,21253;24422,24495;26274,26438;282
15,28266;32309,32419;33750,33877;39626,39738;41083,41189;41770,41901;45838,46349

38209 420,5241 1,573;1388,1480;1982,2163;2624,2924;3012,3089;3
276,3336;3854,3939;4115,4209;4400,4505;4584,4664;4743,4880;4954,5088;5167,5584

38209 1402,5241 17,78;489,573;1388,1480;1982,2163;2624,2924;30
12,3089;3276,3336;3854,3939;4115,4209;4400,4505;4584,4664;4743,4880;4954,5088;51
67,5584

38209 45,5241 1,78;1388,1480;1982,2163;2612,2924;3012,3089;327
6,3336;3854,3939;4115,4209;4400,4505;4584,4664;4743,4880;4954,5088;5167,5584

38209 45,5567 46,78;373,573;1388,1450;2634,2924;3012,3089;3276
,3336;3854,3939;4115,4209;4400,4505;4584,4664;4743,4880;4954,5088;5263,5277;5283
,5567

38210 157,11304 1,261;3590,3672;5407,5507;6410,6514;7155,7220;
10045,10146;11269,13315

38211 157,11304 1,261;3590,3672;5407,5507;6410,6514;7155,7220;
10045,10146;11269,13315

38212 92,8550 1,201;838,956;1242,1327;1793,1927;2639,2751;2898
,2947;3157,3320;4413,4574;4744,4821;4916,4974;5061,5183;5270,5445;6293,6402;6618
,6711;6894,7010;7213,7277;8397,8923

38212 4750,7277 75,286;838,956;1242,1327;1793,1927;2639,2751;2
898,2947;3157,3320;4413,4574;4744,4821;4916,4974;5061,5183;5270,5445;7227,7276

38213 3249,49865 1,29;3221,3336;13420,13634;19190,19339;19429,
19533;22977,23135;23577,23667;28134,28258;29040,29184;29850,29923;31171,31264;35
375,35595;40012,40149;42465,42660;42763,42884;45184,45370;46334,46429;49683,5068
1

38214 423,26491 1,148;391,473;11810,11914;13372,13482;14730,14
851;16137,16260;17252,17347;18451,18556;18640,18715;19744,19783;19871,19957;2120
2,21361;25652,25737;26440,27245

38214 423,26491 1,148;391,473;11810,11914;13372,13482;14730,14

851;16137,16260;17252,17347;18451,18556;18640,18715;19744,19783;19871,19957;2120
2,21361;25652,25737;26440,27247
38214 423,26491 337,473;11810,11914;13372,13482;14730,14851;16
137,16260;17252,17347;18451,18556;18640,18715;19744,19783;19871,19957;21202,2136
1;25652,25737;26440,27247
38215 149,16751 1,161;4368,4517;5778,5912;6536,6630;7502,7551;
7822,7891;8695,8765;9726,9847;10114,10188;10763,10864;14136,14253;16549,18635
38216 395,118014 1,447;71979,72055;73308,73382;113615,113743;1
17889,119795
38216 71980,118014 1,447;71979,72055;73308,73382;113615,113743
;117889,119795
38216 395,118014 1,447;71979,72055;73308,73382;94009,94048;953
87,95439;113615,113743;117889,119795
38216 71980,118014 1,447;71979,72055;73308,73382;94009,94048;9
5387,95439;113615,113743;117889,119795
38216 395,118014 78,447;71979,72055;73308,73382;94009,94048;95
387,95439;113615,113743;117889,118206;122167,122213
38217 330,36030 115,393;23164,23251;23568,23698;27086,27173;29
090,29214;31919,31985;35927,36032;43087,44735
38217 330,44829 1,47;242,393;23164,23251;23568,23639;44585,448
29
38218 286,48109 1,510;30440,30571;38634,38748;47684,49602
38219 34661,185484 1,264;34592,34919;37328,37417;49436,49584;1
21508,121680;147426,147602;164067,164176;185470,185763
38219 34661,268349 1,264;34592,34919;37328,37417;49436,49584;1
21508,121680;147426,147602;164067,164176;200818,200925;222652,222792;239126,2392
63;262637,262734;268223,269841
38219 34661,268349 1,264;34592,34919;37328,37417;49436,49584;1
21508,121680;147426,147602;164067,164176;200818,200925;239126,239263;262637,2627
34;268223,269841
38219 34661,268349 1,264;34592,34919;37328,37417;49436,49584;1
21508,121680;147426,147602;164067,164176;222652,222792;239126,239263;262637,2627
34;268223,269841
38219 121586,268349 1,264;37328,37417;49436,49584;121508,12168
0;147426,147602;164067,164176;200818,200925;222652,222792;239126,239263;262637,2
62734;268223,269841
38219 121586,268349 1,264;49436,49584;121508,121680;147426,147
602;164067,164176;200818,200925;222652,222792;239126,239263;262637,262734;268223
,269841
38219 34661,268349 32,264;34592,34919;37328,37417;49436,49584;
121508,121680;147426,147602;164067,164176;200818,200925;222652,222792;239126,239
263;262637,262734;268223,268762
38219 34661,268349 32,264;34592,34919;37328,37417;49436,49584;
121508,121680;147426,147602;164067,164176;222652,222792;239126,239263;262637,262
734;268223,268762
38220 19310,59955 1,155;19304,19368;28279,28455;35168,35271;36
647,36712;39772,39907;43664,43773;48701,48871;50782,50928;51915,52053;58414,5853
6;59927,60389
38220 19310,39972 15081,15119;19304,19368;28279,28455;35168,35
271;36647,36712;39772,41421

38221	84,23856	1,221;19107,19217;19765,19891;21534,21621;23732 ,23885;24381,27167
38222	150,7012	1,177;688,712;1289,1368;5433,6989;6992,7016;319 59,32804
38222	150,7012	1,177;688,712;1289,1368;5433,7016;31959,32804
38222	150,7016	1,177;688,712;1289,1368;5433,7016;31959,32804
38223	454,155370	1,458;85730,85895;98061,98238;122506,122590;1 33579,133946;135838,135948;138244,138548;140128,140273;140430,140487;141285,1413 33;145127,145193;148091,148153;152074,152152;154740,154797;155332,166312
38223	454,155370	1,458;85730,85895;98061,98238;122506,122590;1 33579,133946;135838,135948;138244,138548;140128,140273;140430,140487;141285,1413 33;145127,145193;152074,152152;154740,154797;155332,166312
38223	313,155370	185,458;85730,85895;98061,98238;122506,122590 ;133579,133946;135838,135948;138244,138548;140128,140273;140430,140487;141285,14 1333;145127,145193;148091,148153;152074,152152;154740,154797;155332,157666
38223	313,155370	60,458;85730,85895;98061,98238;122506,122590; 133579,133946;135838,135948;138244,138548;140128,140273;140430,140487;141285,141 333;145127,145193;152074,152152;154740,154797;155332,157666
38224	314,23223	1,362;9145,9218;10446,10577;14358,14442;14591, 14696;17470,17599;19696,19815;22944,26273
38224	332,23223	1,362;9145,9218;10446,10577;14358,14442;14591, 14696;17470,17599;19696,19815;22944,26273
38224	332,23223	1,362;9145,9218;10446,10577;14358,14442;14591, 14696;17470,17599;19696,19815;22944,26275
38224	332,23223	270,362;9145,9218;10446,10577;14358,14442;1459 1,14696;17470,17599;19696,19815;22944,23668
38225	314,23223	1,362;9145,9218;10446,10577;14358,14442;14591, 14696;17470,17599;19696,19815;22944,26273
38225	332,23223	1,362;9145,9218;10446,10577;14358,14442;14591, 14696;17470,17599;19696,19815;22944,26273
38225	332,23223	1,362;9145,9218;10446,10577;14358,14442;14591, 14696;17470,17599;19696,19815;22944,26275
38225	332,23223	270,362;9145,9218;10446,10577;14358,14442;1459 1,14696;17470,17599;19696,19815;22944,23668
38226	6345,26292	1,249;6321,6407;8889,9050;13359,13439;15167,1 5312;19692,19800;20553,20660;24451,24591;26175,26888
38226	6345,26292	1,249;6321,6407;8889,9050;13359,13439;15167,1 5312;19692,19800;20553,20660;24451,24591;26175,26889
38227	949,24025	1,1053;3347,3444;9499,9573;12641,12806;13468,1 3560;14633,14742;15143,15280;21943,22107;23862,25607
38227	949,24025	1,1053;3347,3444;9499,9573;12641,12806;14633,1 4742;15143,15280;21943,22107;23862,25607
38227	9534,24025	1,1053;9499,9573;12736,12806;13468,13560;1463 3,14742;15143,15280;21943,22107;23862,25607
38228	188,2172	1,302;1952,2055;2127,2237;3838,3967;6247,6792
38228	188,2172	1,302;1952,2055;2127,2237;6247,6792
38228	188,6288	1,302;1952,2055;3838,3967;6247,6792
38228	188,6460	1,302;1952,2055;6247,6792
38229	872,8356	1,136;850,908;1327,1464;1583,1696;2190,2273;315 5,3287;4673,4785;5026,5152;5623,5710;6953,7127;7268,7410;7489,7625;7713,7888;811

8,8184;8274,8573
 38229 173,8356 1,186;850,908;1327,1464;1583,1696;2190,2273;315
 5,3287;4673,4785;5026,5152;5623,5710;6953,7127;7268,7410;7489,7625;7713,7888;811
 8,8184;8274,8573
 38229 872,8356 1,283;850,908;1327,1464;1583,1696;2190,2273;315
 5,3287;4673,4785;5026,5152;5623,5710;6953,7127;7268,7410;7489,7625;7713,7888;811
 8,8184;8274,8573
 38229 173,8387 174,186;850,908;1327,1464;1583,1696;2190,2273;3
 155,3287;4673,4785;5026,5152;5623,5710;6953,7127;7268,7410;7489,7625;7713,7888;8
 118,8162;8167,8184;8274,8573
 38230 632,59856 1,728;25357,25465;43332,43529;54504,54572;5607
 5,56160;56995,57129;59626,59992;62960,63644
 38230 632,59856 497,728;25357,25465;43332,43529;54504,54572;56
 075,56160;56995,57129;59626,61814
 38231 254,3262 1,388;954,1143;1338,1558;1752,1832;1948,2072;22
 72,2445;2593,2665;2844,3003;3167,3916
 38232 408,116457 1,654;31463,31657;58799,59049;91910,91981;938
 25,93907;101604,101700;105100,105304;108546,108639;116441,116636
 38233 0,640227 1,43;1958,2203;5385,5760;640143,640227
 38233 219666,275260 219419,219726;232473,232663;237693,237902;
 244759,244943;275055,277298
 38233 219666,275260 219419,219726;232473,232663;237693,237902;
 244759,244943;275055,277299
 38233 219561,275260 219562,219726;232473,232663;237693,237902;
 244759,244943;275055,276906
 38234 30,42830 1,201;34554,34700;39040,39192;40994,41070;41282
 ,41378;42789,44923
 38235 98,730 1,206;396,568;664,846
 38235 98,730 2,206;396,568;664,846
 38236 51830,59434 1,162;51788,51943;58400,58453;58888,63088
 38236 51830,59434 1,162;51789,51943;58400,58453;58888,63088
 38236 1904,59434 1511,2012;51789,51943;58400,58453;58888,63088
 38236 912,59434 911,1026;51789,51943;58400,58453;58888,63088
 38236 51830,59434 917,1019;51789,51943;58400,58453;58888,63088
 38236 1023,59434 917,1026;51789,51943;58400,58453;58888,63088
 38237 92,150370 1,228;96190,96279;96358,96428;100292,100394;11
 8903,119043;126759,126874;131029,131087;133959,133978;135744,135805;136442,13651
 0;140055,140156;140890,140962;150294,153241
 38237 92,150370 1,228;96190,96279;96358,96428;100292,100394;11
 8903,119043;126759,126874;131029,131091;135598,135610;135744,135805;136442,13651
 0;140055,140156;140890,140962;150294,153236
 38238 34739,106427 1,70;34716,34857;51780,51825;61005,61469;77
 422,77506;78790,78938;82606,82713;87603,87660;90929,91038;101453,101586;105421,1
 07700
 38239 12111,31676 11,144;12096,12237;13091,13189;13593,13723;1
 8751,18872;21900,21964;31458,32266;32992,33495
 38239 12111,31676 1,144;12096,12237;13091,13189;13593,13714;18
 739,18872;21900,21964;31458,32265;32991,33495
 38240 33877,36852 1,61;33872,33934;34625,34663;34788,34862;354
 69,35505;36285,36334;36823,36872;38376,39675

38240 33877,36852 5,61;18367,18442;33872,33934;34625,34663;347
88,34862;35469,35505;36285,36334;36823,36872;38376,39674

38241 31,17537 1,266;5856,5975;11415,11553;13737,13817;17384,1
7850

38241 31,17537 18,266;5856,5975;11415,11553;13737,13817;17384,
17845

38242 94,138618 1,191;14983,15044;29812,29904;38013,38198;5067
8,50791;54387,54522;56409,56623;65665,65758;67053,67172;67716,67976;78964,79134;
86171,86230;101554,101671;106208,106323;107768,107854;108083,108410;114075,11411
6;126804,126942;128773,128929;129560,129648;131541,131646;138554,139013

38242 67096,138618 1,191;14983,15044;29812,29904;38013,38198;5
0678,50791;54387,54522;56409,56623;65665,65758;67053,67172;67716,67976;86171,862
30;101554,101671;106208,106323;107768,107854;108083,108410;126804,126942;128773,
128929;129560,129648;131541,131646;138554,139013

38242 67096,138618 38117,38198;50678,50791;54387,54522;56409,5
6623;65665,65758;67053,67172;67716,67976;86171,86230;101554,101671;106208,106323
;107768,107854;108083,108410;126804,126942;128773,128929;129560,129648;131541,13
1646;138554,139018

38242 67096,138618 65746,65758;67053,67172;67716,67976;101554,
101671;106208,106323;107768,107854;108083,108410;126804,126942;128773,128929;129
560,129648;131541,131646;138554,139013

38243 65,4544 1,107;560,596;1411,1500;1778,1884;2145,2244;2448
,2547;2923,3124;4488,6143

38243 65,4544 1,107;560,596;1778,1884;2145,2244;2448,2547;2923
,3124;4488,6143

38243 65,4544 1,269;560,596;1411,1500;1778,1884;2145,2244;2448
,2547;2923,3124;4488,6143

38243 65,4544 13,269;560,596;1411,1500;1778,1884;2145,2244;244
8,2547;2923,3124;4488,6180

38243 65,4544 66,116;566,596;1778,1884;2145,2244;2448,2547;292
3,3124;4488,6180

38244 746,7691 1,192;736,982;1571,1679;2287,2337;2832,2944;382
2,3904;4084,4187;4452,4596;4844,4940;5022,5104;5712,5857;6987,7024;7389,7464;755
1,7929

38244 746,7691 1,192;736,982;1571,1679;2287,2337;2832,2944;382
2,3904;4084,4187;4452,4596;4844,4940;5025,5104;5712,5857;6987,7024;7389,7464;755
1,7927

38244 2827,7570 2827,2856;2861,2944;3822,3904;4084,4187;4452,4
596;4844,4940;5025,5104;5712,5857;6987,7024;7397,7464;7551,7933

38245 1812,33728 1,61;1696,1862;2993,3012;9461,9524;11895,1197
9;20004,20167;33683,35162

38245 1792,33728 1,61;1696,1862;9461,9524;11895,11979;20004,20
167;33683,35162

38245 1792,33728 1,61;1699,1862;9461,9524;11895,11979;20004,20
167;33683,35162

38245 1812,33728 22,61;1699,1862;2993,3012;9461,9524;11895,119
79;20004,20167;33683,35162

38246 735,155509 1,1037;34738,34993;38101,38197;47265,47383;53
121,53201;74783,74877;93041,93164;98886,98979;125699,125814;129315,129534;131934
,132106;135407,135522;155377,159091

38246 735,155509 1,1037;34738,34993;38101,38201;47269,47383;53
 121,53201;74783,74877;93041,93164;98886,98979;125699,125814;129315,129534;131934
 ,132106;135407,135522;155377,159091
 38246 735,155509 15,1037;34738,34993;38101,38197;47265,47383;5
 3121,53201;74783,74877;93041,93164;98886,98979;125699,125814;129315,129534;13193
 4,132106;135407,135522;155377,158250
 38247 246,106285 1,403;42070,42224;50051,50248;89945,90294;106
 249,109554
 38247 108272,108665 1,403;42070,42224;89945,90294;106249,10955
 4
 38247 246,106285 1,403;42070,42224;89945,90294;106249,109554
 38248 137,1703 1,173;535,594;684,770;1578,2057
 38248 170,1703 1,173;535,594;684,770;1578,2057
 38249 122,32582 11,154;13826,13975;19211,19393;20844,20996;235
 28,23618;32367,35248
 38249 122,32582 11,154;13826,13975;19211,19393;20844,20996;235
 28,23618;32367,35249
 38249 122,32582 1,154;13826,13975;20844,20996;23528,23618;3236
 7,35247
 38250 23686,24195 1,71;6640,6790;8658,8703;11863,11971;18965,1
 9200;19892,20012;21553,21673;22802,22961;23579,23749;23752,24417
 38250 98,22945 85,198;6640,6790;8658,8703;9614,9702;11863,1197
 1;18969,19019;19096,19200;19892,20012;21553,21673;22666,24417
 38251 48,44655 1,160;3985,4025;5496,5663;9013,9073;13252,13391
 ;24652,24761;26744,26813;44386,45499
 38251 48,26806 37,160;3985,4025;5496,5663;9013,9073;13252,1339
 1;26744,26813;44386,45499
 38252 68,78389 1,166;12632,12743;19340,19513;22036,22178;24252
 ,24351;38956,39061;66371,66515;72809,72878;78297,79328
 38252 68,78389 25,166;12632,12743;19340,19513;22036,22178;2425
 2,24351;38956,39061;66371,66515;72809,72878;78297,79413
 38253 227,3823 1,399;1535,1644;3614,4101
 38253 227,3720 1,399;3614,4097
 38253 227,3720 1,399;3614,4101
 38253 227,3720 189,399;1535,1644;2092,2173;3614,4097
 38254 19867,24808 12,43;3681,3799;19866,19936;20519,20624;2158
 0,21661;23309,23468;23565,23683;23822,24009;24133,24241;24736,24845
 38254 19867,24808 1,43;19866,19936;20519,20624;21580,21661;233
 09,23468;23565,23683;23822,24009;24133,24241;24736,24845
 38255 220,40492 1,304;17311,17412;20434,20636;24113,24245;2630
 6,26362;26365,26406;40484,40492
 38255 220,29511 1,304;17311,17412;20434,20636;24113,24245;2630
 6,26429;29372,30477
 38256 54,39203 1,160;1198,1307;4498,4545;26122,26164;32465,325
 53;35162,35253;35993,36053;36490,36541;37438,37496;38690,38774;39022,40740
 38256 54,39203 28,160;1198,1307;26122,26164;32465,32553;35162,
 35253;35993,36053;36490,36541;37438,37496;38690,38774;39022,40736
 38257 2,179578 1,254;75246,75376;80348,80479;84332,84446;89754
 ,89921;142592,142707;150812,150916;151225,151387;155729,155916;166319,166480;168
 498,168608;170862,170969;176364,176475;178457,183520

38257 142597, 179578 44, 254; 75246, 75376; 80348, 80479; 84332, 84446
; 89754, 89921; 142592, 142707; 150812, 150916; 151225, 151387; 155729, 155916; 166319, 1664
80; 168498, 168608; 170862, 170969; 176364, 176475; 178457, 180636

38257 200, 179578 6, 254; 75246, 75376; 80348, 80479; 84332, 84446; 897
54, 89921; 142592, 142707; 150812, 150916; 151225, 151387; 155729, 155916; 166319, 166480; 1
68498, 168608; 170862, 170969; 176364, 176475; 178457, 183520

38258 2, 179578 1, 254; 75246, 75376; 80348, 80479; 84332, 84446; 89754
, 89921; 142592, 142707; 150812, 150916; 151225, 151387; 155729, 155916; 166319, 166480; 168
498, 168608; 170862, 170969; 176364, 176475; 178457, 183520

38258 142597, 179578 44, 254; 75246, 75376; 80348, 80479; 84332, 84446
; 89754, 89921; 142592, 142707; 150812, 150916; 151225, 151387; 155729, 155916; 166319, 1664
80; 168498, 168608; 170862, 170969; 176364, 176475; 178457, 180636

38258 200, 179578 6, 254; 75246, 75376; 80348, 80479; 84332, 84446; 897
54, 89921; 142592, 142707; 150812, 150916; 151225, 151387; 155729, 155916; 166319, 166480; 1
68498, 168608; 170862, 170969; 176364, 176475; 178457, 183520

38259 34860, 79784 1, 347; 34859, 34972; 55515, 55701; 58970, 59055; 70
073, 70177; 70259, 70327; 71404, 71561; 72672, 72826; 73433, 73587; 74694, 74924; 76814, 7701
6; 79572, 83937

38259 34860, 79784 152, 347; 1005, 1172; 34859, 34972; 55515, 55701; 58
970, 59055; 70073, 70177; 70259, 70327; 71404, 71561; 72672, 72826; 73433, 73587; 74694, 7492
4; 76814, 77016; 79572, 83933

38260 16, 1739 1, 67; 151, 248; 685, 839; 935, 977; 1055, 1154; 1250, 1314
; 1390, 1507; 1635, 1817

38261 89, 44061 1, 234; 440, 513; 24894, 25010; 25753, 25983; 29653, 298
22; 33755, 33848; 36213, 36348; 37762, 37873; 40339, 40398; 40531, 40575; 41199, 41319; 42258
, 42413; 43951, 44882

38261 89, 44061 9, 234; 440, 513; 24894, 25010; 25753, 25983; 29653, 298
22; 33755, 33848; 36213, 36348; 37762, 37873; 40339, 40398; 40531, 40575; 41199, 41319; 42258
, 42413; 43951, 44882

38262 92, 8208 1, 418; 2681, 2785; 3113, 3217; 3860, 3910; 5473, 5613; 58
25, 5909; 6181, 6241; 6462, 6552; 6666, 6724; 6826, 6874; 7153, 7248; 7641, 7707; 8176, 10070

38263 265, 29789 1, 328; 22509, 22676; 23340, 23420; 24096, 24209; 2530
1, 25414; 29715, 30778

38263 265, 29789 60, 328; 22509, 22676; 23340, 23420; 24096, 24209; 253
01, 25414; 29715, 30832

38264 57, 762 1, 96; 298, 393; 586, 1862

38264 57, 762 58, 96; 298, 393; 586, 1862

38265 124, 53919 1, 333; 8832, 8939; 16364, 16495; 18379, 18485; 33778,
33915; 50588, 50704; 53828, 54580

38265 124, 53919 18, 333; 8832, 8939; 16364, 16495; 18379, 18485; 33778
, 33915; 50588, 50704; 53828, 54581

38266 23870, 55977 1, 55; 23854, 24104; 26902, 27072; 34875, 34928; 385
54, 38748; 41048, 41257; 47425, 47608; 53284, 53351; 53986, 54164; 55920, 56227

38266 23870, 55977 5, 55; 23854, 24104; 26902, 27072; 34875, 34928; 385
54, 38748; 41048, 41257; 47425, 47608; 53284, 53351; 53986, 54164; 55920, 56227

38267 16, 3439 14, 59; 304, 429; 1150, 1279; 2848, 3977

38267 16, 3439 1, 59; 304, 429; 1150, 1279; 2848, 3976

38268 20619, 34276 1, 215; 20602, 20778; 23730, 24015; 27298, 27448; 29
706, 29889; 31980, 32123; 34256, 34907

38268 20619, 34276 20620, 20778; 23730, 24015; 27298, 27448; 29706, 29

889;31980,32123;34256,34276

38269 27,47872 1,161;2533,2603;5363,5541;16863,16906;25545,256
52;27531,27604;27864,27976;28280,28389;36040,36113;39250,39304;40637,40744;43358
,43455;47658,50272

38269 27,47872 6,161;2533,2603;5363,5541;16863,16906;25545,256
52;27531,27604;27864,27976;28280,28389;36040,36113;39250,39304;40637,40744;43358
,43455;47658,50272

38270 5560,36292 1,129;5523,5596;7748,7798;10740,10817;11517,1
1632;12020,12102;16212,16319;16671,16720;17681,17800;19193,19278;19587,19631;197
07,19798;21418,21538;25442,25523;26946,27005;27095,27252;27797,27858;28353,28870
;31102,31179;34652,34777;36236,36612

38270 5560,36292 12,129;5523,5596;7748,7798;10740,10817;11517,
11632;12020,12102;16212,16319;16671,16720;17681,17800;19193,19278;19587,19631;19
707,19798;21418,21538;25442,25523;26946,27005;27095,27252;27797,27858;28353,2887
0;31102,31179;34652,34777;36236,36612

38270 5560,36292 12,129;5523,5596;7748,7798;10740,10817;11517,
11632;12020,12102;16212,16319;16671,16720;17681,17800;19193,19278;19587,19631;19
707,19798;21418,21538;25442,25523;26946,27005;27095,27252;27797,27858;28353,2887
0;31102,31179;36236,37035

38270 5560,28969 47,129;5523,5596;7748,7798;10740,10817;11517,
11632;12020,12102;16212,16319;16671,16720;17681,17800;19193,19278;19587,19631;19
707,19798;21418,21538;25442,25523;26946,27005;27095,27252;27797,27858;28353,3168
3

38271 7767,19725 1,87;1897,2049;4733,4831;5038,5226;5349,5419;
7767,7836;9361,9463;10228,10348;16323,16412;18147,18290;19569,19904

38271 1927,19725 1,87;1897,2049;4733,4831;5038,5226;7767,7836;
9361,9463;10228,10348;16323,16412;18147,18290;19569,19904

38271 1942,19725 1,87;1897,2049;4733,4831;5038,5226;7767,7836;
9361,9463;10228,10348;16323,16412;18147,18290;19569,19904

38272 63,12499 1,171;1291,1445;2048,2213;7443,7566;12162,12678

38273 9630,17647 1,98;9608,9734;9856,10008;10174,10252;10912,1
0935;11030,11083;11237,11389;11484,11547;11642,11685;11763,11888;12614,12762;128
37,12966;13051,14448;14532,14653;15483,15615;15879,16014;16140,16301;16560,16718
;16848,17044;17133,17216;17325,17415;17550,17969

38273 9630,17647 35,98;9608,9734;9856,10008;10174,10252;10912,
10935;11030,11083;11237,11389;11484,11547;11642,11685;11763,11888;12614,12762;12
837,12966;13051,14448;14532,14653;15483,15615;15879,16014;16140,16301;16560,1671
8;16848,17044;17133,17216;17325,17415;17550,17969

38274 7599,7866 1,80;7515,10691

38274 7599,7866 751,410,694

38275 7599,7866 1,80;7515,10691

38275 7599,7866 751,410,694

38276 170,1801 1,182;629,889;1661,1910

38276 170,1801 28,182;629,889;1661,3809

38277 133282,170924 112956,113259;128671,128766;129845,129892;

131504,131533;133280,133330;143825,143915;145002,145106;148957,149116;155205,155
317;155740,155858;159968,160053;164299,164470;165694,165778;167050,167160;167399
,167462;167577,167717;168943,169021;169661,169752;170488,170623;170850,171599

38277 133282,170924 112956,113259;129845,129892;131504,131533;

133280,133330;139455,139493;143825,143915;145002,145106;148957,149116;155205,155

317;155740,155858;159968,160053;164299,164470;165694,165778;167050,167160;167399
,167468;167577,167717;168943,169021;169661,169752;170488,170623;170850,171599
38277 133282,170924 112956,113259;129845,129892;131504,131533;
133280,133330;143825,143915;145002,145106;148957,149116;155205,155317;155740,155
858;159968,160053;164299,164470;165694,165778;167050,167160;167399,167462;167577
,167717;168943,169021;169661,169752;170488,170623;170850,171599
38277 113109,170924 112986,113136;128671,128766;129845,129892;
131504,131533;133280,133330;143825,143915;145002,145106;148957,149116;155205,155
317;155740,155858;159968,160053;164299,164470;165694,165778;167050,167160;167399
,167462;167577,167717;168943,169021;169661,169752;170488,170623;170850,171599
38277 133282,170924 113039,113259;128671,128766;129845,129892;
131504,131533;133280,133330;143825,143915;145002,145106;148957,149116;155205,155
317;155740,155858;159968,160053;164299,164470;165694,165778;167050,167160;167399
,167468;167577,167717;168943,169021;169661,169752;170488,170623;170850,171532
38277 245,170924 1,356;35126,35176;52569,52647;97138,97214;123
278,123346;128671,128766;129845,129892;131504,131533;133280,133330;143825,143915
;145002,145106;148957,149116;155205,155317;155740,155858;159968,160053;164299,16
4470;165694,165778;167050,167160;167399,167468;167577,167717;168943,169021;16966
1,169752;170488,170623;170850,171531
38277 245,170924 227,356;35126,35176;52569,52647;97138,97214;1
23278,123346;128671,128766;129845,129892;131504,131533;133280,133330;143825,1439
15;145002,145106;148957,149116;155205,155317;155740,155858;159968,160053;164299,
164470;165694,165778;167050,167160;167399,167462;167577,167717;168943,169021;169
661,169752;170488,170623;170850,171599
38277 245,170924 227,356;35126,35176;52569,52647;97138,97214;1
28671,128766;129845,129892;131504,131533;133280,133330;139455,139493;143825,1439
15;145002,145106;148957,149116;155205,155317;155740,155858;159968,160053;164299,
164470;165694,165778;167050,167160;167399,167462;167577,167717;168943,169021;169
661,169752;170488,170623;170850,171599
38277 245,170924 227,356;35126,35176;52569,52647;97138,97214;1
28671,128766;129845,129892;131504,131533;133280,133330;139455,139493;143825,1439
15;145002,145106;148957,149116;155205,155317;155740,155858;159968,160053;164299,
164470;165694,165778;167050,167160;167399,167468;167577,167717;168943,169021;169
661,169752;170488,170623;170850,171599
38277 245,170924 227,356;35126,35176;52569,52647;97138,97214;1
28671,128766;129845,129892;131504,131533;133280,133330;143825,143915;145002,1451
06;148957,149116;155205,155317;155740,155858;159968,160053;164299,164470;165694,
165778;167050,167160;167399,167462;167577,167717;168943,169021;169661,169752;170
488,170623;170850,171599
38277 133282,170924 227,356;35126,35176;97138,97214;128671,128
766;129845,129892;131504,131533;133280,133330;139455,139493;143825,143915;145002
,145106;148957,149116;155205,155317;155740,155858;159968,160053;164299,164470;16
5694,165778;167050,167160;167399,167462;167577,167717;168943,169021;169661,16975
2;170488,170623;170850,171599
38278 1535,10590 1493,1553;5725,5909;6367,6422;6520,6613;6748,
6876;6986,7046;7128,7230;7341,7442;7684,7765;9764,9850;9956,10096;10178,10242;10
328,10670
38278 406,10590 1,526;5725,5909;6124,6198;6367,6422;6520,6613;
6748,6876;6986,7046;7128,7230;7341,7442;7684,7765;9764,9850;9956,10096;10178,102
42;10328,10672

38278 406,10590 5,526;5725,5909;6124,6198;6367,6422;6520,6613;
6748,6876;6986,7046;7128,7230;7341,7442;7684,7765;9764,9850;9956,10096;10178,102
42;10328,10672

38279 1085,7908 11,364;1071,1125;1231,1328;2586,2689;2961,3147
;3492,3551;5193,5323;6338,6472;6568,6665;6825,6871;7090,7182;7364,7532;7808,8098

38279 1085,7908 1,48;1066,1125;1231,1328;2586,2689;2961,3147;3
492,3551;5193,5323;6338,6472;6568,6665;6825,6871;7090,7182;7364,7532;7808,8098

38279 1085,7846 17,364;1071,1125;1231,1328;2586,2689;2961,3147
;3492,3551;5193,5323;6338,6472;6568,6665;6825,6871;7090,7182;7364,7432;7437,7532
;7808,8098

38279 1085,7908 17,364;1071,1125;1231,1328;2586,2689;2961,3147
;3492,3551;5193,5323;6338,6472;6568,6665;6825,6871;7090,7182;7364,7532;7808,8098

38280 79,25182 1,105;11804,11926;12950,12955;13000,13181;14998
,15302;17721,17935;19560,19670;24737,24881;25045,26635

38280 79,25182 24,105;11804,11932;13000,13181;14998,15302;1772
1,17935;19560,19670;24737,24881;25045,26638

38281 37,2199 1,180;337,414;662,787;1576,1621;2101,2338

38281 37,2199 37,205;232,233;364,414;662,787;1576,1621;2101,23
38

38282 531,50049 1,643;14638,14789;23545,23621;27552,27657;2869
2,28798;30778,30930;31033,31143;31582,31689;37475,37578;39363,39417;40097,40190;
43244,43334;44099,44217;46925,47067;47765,47816;50011,52040

38282 531,50049 369,643;14638,14789;23545,23621;27552,27657;28
692,28798;30778,30930;31033,31143;37475,37578;39363,39417;40097,40190;43244,4333
4;44099,44217;46925,47067;47765,47816;50011,52040

38283 746,7319 1,1024;3022,3219;3913,3971;4612,4761;5329,5529;
5984,6101;7190,7769

38283 746,7319 1,1024;3022,3219;3913,3971;4612,4761;5329,5535;
5984,6101;7190,7769

38283 746,3607 268,1024;3022,3219;3592,3684;3913,3971;4612,476
1;5329,5529;5984,6101;7190,7769

38283 746,7319 268,1024;3022,3219;3913,3971;4612,4761;5329,552
9;5984,6101;7190,7769

38283 4649,7319 30,215;3022,3219;3592,3684;3913,3971;4612,4761
;5329,5529;5984,6101;7190,7769

38283 4649,7319 30,215;3022,3219;3592,3684;3913,3971;4612,4761
;5329,5535;5984,6101;7190,7769

38283 4649,7319 30,215;3022,3219;3913,3971;4612,4761;5329,5529
;5984,6101;7190,7769

38284 215,6433 1,326;3131,3277;5017,5142;5220,5390;5467,5533;5
606,5690;5768,5847;6137,6233;6340,6731

38284 215,6433 1,326;3131,3277;5017,5142;5220,5390;5467,5533;5
606,5690;5768,5847;6137,6233;6340,6733

38285 120244,246321 120217,120253;123824,123889;126662,126757;
128803,128931;139163,139189;139306,139418;146517,146885;150602,150746;155232,155
261;162190,162362;164096,164159;166304,166378;166706,166768;177094,177141;177265
,177394;179580,179694;185323,185406;189330,189395;189952,190053;193680,193729;20
3576,203748;206412,206497;210003,210170;214927,214973;219701,219815;219969,22009
4;222052,222246;224085,224858;239358,239416;242947,243059;246253,246354

38285 120244,246321 120217,120253;123824,123889;126662,126757;

128803, 128931; 139306, 139418; 146517, 146885; 150602, 150746; 155232, 155261; 162190, 162362; 164096, 164159; 166304, 166378; 177094, 177141; 177265, 177394; 179580, 179694; 185323, 185406; 189330, 189395; 189952, 190053; 193680, 193729; 203576, 203748; 206412, 206497; 210003, 210170; 214927, 214973; 219701, 219815; 219969, 220094; 222052, 222246; 239358, 239416; 242947, 243059; 246253, 246354

38285 123814, 246321 123814, 123889; 126662, 126757; 128803, 128931; 139163, 139189; 139306, 139418; 146517, 146885; 150602, 150746; 155232, 155261; 162190, 162362; 164096, 164159; 166304, 166378; 174260, 174388; 177094, 177141; 177265, 177394; 179580, 179694; 185323, 185406; 189330, 189395; 189952, 190053; 193680, 193729; 203576, 203748; 206412, 206497; 210003, 210170; 214927, 214973; 219701, 219815; 219969, 220094; 222052, 222246; 224574, 224858; 239358, 239416; 242947, 243059; 246253, 246320

38285 123814, 246321 123814, 123889; 126662, 126757; 128803, 128931; 139163, 139189; 139306, 139418; 146724, 146885; 150602, 150746; 155232, 155261; 162190, 162362; 164096, 164159; 177094, 177141; 177265, 177394; 179580, 179694; 185323, 185406; 189330, 189395; 193680, 193729; 203576, 203748; 206412, 206497; 210003, 210170; 214927, 214973; 219701, 219815; 219969, 220094; 222052, 222246; 238574, 238633; 239358, 239416; 242947, 243059; 246253, 246552

38285 123814, 246321 123814, 123889; 126662, 126757; 128803, 128931; 139306, 139418; 150602, 150746; 155232, 155261; 162190, 162362; 164096, 164159; 166304, 166378; 166706, 166768; 177094, 177141; 177265, 177394; 179580, 179694; 185323, 185406; 193680, 193729; 203576, 203748; 206412, 206497; 210003, 210170; 214927, 214973; 219701, 219815; 219969, 220094; 222052, 222246; 239358, 239416; 242947, 243059; 246253, 246320

38285 123814, 246321 123814, 123889; 128803, 128931; 139163, 139189; 139306, 139418; 150602, 150746; 155232, 155261; 162190, 162362; 164096, 164159; 177094, 177141; 177265, 177394; 179580, 179694; 185323, 185406; 189952, 190053; 193680, 193729; 203576, 203748; 206412, 206497; 210003, 210170; 214927, 214973; 219701, 219815; 219969, 220094; 222052, 222246; 239358, 239416; 242947, 243059; 246253, 246320

38285 123824, 246321 123824, 123889; 128803, 128934; 138645, 138652; 139317, 139418; 150602, 150746; 155232, 155261; 162190, 162362; 164096, 164159; 177094, 177141; 177265, 177394; 179580, 179694; 193680, 193729; 203576, 203747; 206411, 206497; 214927, 214973; 219701, 219815; 219969, 220094; 222052, 222246; 239358, 239416; 242947, 243059; 246253, 246320

38285 70288, 246321 1, 59; 70258, 70344; 120199, 120253; 123824, 123889; 128803, 128931; 139163, 139189; 139306, 139418; 146517, 146885; 150602, 150746; 155232, 155261; 162190, 162362; 164096, 164159; 177094, 177141; 177265, 177394; 179580, 179694; 193680, 193729; 203576, 203748; 206412, 206497; 214927, 214973; 219701, 219815; 219969, 220094; 222052, 222246; 239358, 239416; 242947, 243059; 246253, 249605

38285 120244, 246321 1, 59; 70259, 70344; 120199, 120253; 123824, 123889; 128803, 128931; 139163, 139189; 139306, 139418; 146517, 146885; 150602, 150746; 155232, 155261; 162190, 162362; 164096, 164159; 177094, 177141; 177265, 177394; 179580, 179694; 193680, 193729; 203576, 203748; 206412, 206497; 214927, 214973; 219701, 219815; 219969, 220094; 222052, 222246; 239358, 239416; 242947, 243059; 246253, 249605

38285 120244, 246321 1, 59; 70259, 70344; 120199, 120253; 123824, 123889; 128803, 128931; 139306, 139418; 150602, 150746; 155232, 155261; 162190, 162362; 164096, 164159; 177094, 177141; 177265, 177394; 179580, 179694; 193680, 193729; 203576, 203748; 206412, 206497; 214927, 214973; 219701, 219815; 219969, 220094; 222052, 222246; 239358, 239416; 242947, 243059; 246253, 249605

38285 120199, 246321 27, 59; 70259, 70344; 120199, 120253; 123824, 123889; 126662, 126757; 128803, 128931; 139163, 139189; 139306, 139418; 150602, 150746; 155232, 155261; 162190, 162362; 164096, 164159; 177094, 177141; 177265, 177394; 179580, 179694; 19

3680,193729;203576,203748;206412,206497;210003,210170;214927,214973;219701,219815;219969,220094;222052,222246;239358,239416;242947,243059;246253,249605

38286 3391,19268 1,26;3344,4148;8220,8449;19101,20450

38286 3391,19268 48,305;3344,4148;8220,8449;19101,20454

38287 471,4055 1,255;469,633;2559,2626;3815,6149

38287 156,46948 140,255;2559,2624;45400,45550;45741,45878;46872,47545

38287 43391,47080 43161,43550;45273,45546;45741,45878;46872,47545

38287 43391,47080 43161,43550;45273,45546;45741,45878;46872,47548

38287 45407,47080 43559,43672;45400,45546;45741,45878;46872,47545

38288 0,29263 1,207;15425,15650;20883,21058;21614,21796;28349,28454;29187,29986

38289 7409,9172 1,71;7399,7482;7805,7948;8037,8098;8203,8333;8419,8601;8738,8799;8880,8940;9025,9342

38289 7409,8905 1,71;7399,7482;7805,7948;8037,8098;8203,8333;8419,8601;8738,8799;8880,8940;9025,9346

38290 142,9900 1,307;6745,6888;9850,11100;11107,11535

38290 142,9900 1,307;6745,6888;9850,11529

38290 142,6812 26,307;6745,6782;6785,6811

38291 39,9981 13,89;1268,1416;1715,1838;2126,2323;3296,3430;3522,3686;5121,5265;5684,5835;6277,6396;6673,6804;6905,7036;7122,7235;8269,8431;8530,8720;8897,9019;9120,9291;9491,9620;9710,9819;9919,10040

38291 39,9981 1,89;1268,1416;1715,1838;2126,2323;3296,3430;3522,3686;5121,5265;5684,5835;6277,6396;6673,6804;6905,7036;7122,7235;8269,8431;8530,8720;8897,9019;9120,9291;9491,9620;9710,9819;9919,10037

38291 39,9981 19,89;1268,1416;1715,1838;2126,2323;3296,3430;3522,3686;5121,5237;5242,5265;5684,5835;6277,6388;6391,6396;6673,6717;6719,6804;6905,6932;6935,7036;7122,7235;8269,8431;8530,8720;8897,9019;9120,9291;9491,9620;9710,9819;9919,10035

38292 21,920 1,341;494,536;627,1244

38293 366,10747 1,504;2604,2771;4893,4960;8326,8484;9317,9448;10242,10337;10636,10935

38293 366,10747 23,306;348,504;2604,2771;4893,4960;8326,8484;9317,9448;10242,10337;10636,10746

38293 366,10747 253,504;2604,2771;4893,4960;8326,8484;9317,9448;10242,10337;10636,10810

38293 366,8436 6,504;2604,2771;8326,8484;9317,9448;10242,10337;10636,10810

38294 2810,18527 1,122;2731,2815;9746,9839;12019,12149;14840,15037;16942,17023;17784,17863;18494,21183

38295 1022,3265 1,108;1019,1265;1379,1622;1774,2031;2837,2895;2900,3328

38295 1022,3265 1,108;1019,1265;1379,1622;1774,2031;2837,3328

38296 54,13972 1,208;815,909;1952,2029;5323,5405;9796,9932;11084,11138;13759,14884

38296 54,13972 39,208;815,909;1952,2029;5323,5405;9796,9932;11084,11138;13759,14885

38297	7382,16062	1,541;7383,7673;10659,10951;15570,16933
38297	7382,16062	36,541;7383,7673;10659,10951;15570,16929
38298	25337,37743	1,68;25279,25576;26637,26869;29682,29791;330
		53,33288;33788,33888;34654,34966;36305,36397;37233,37336;37631,40874
38298	38949,39339	1,68;25279,25576;26637,26869;29682,29791;330
		53,33288;33788,33888;34654,34966;36305,36397;37233,37336;37631,40874
38299	10713,25207	10713,10725;13283,13343;14166,14313;16042,16
		125;21510,21661;25158,25892
38299	306,25207	1,351;13283,13343;14166,14313;16042,16125;2151
		0,21661;25158,25892
38299	79,25207	1,94;13283,13343;14166,14313;16042,16125;21510,
		21661;25158,25892
38300	729,2451	1,219;620,859;1059,1929;2026,2149;2239,2722
38301	143,15580	1,193;7412,7575;11543,11708;15442,15759
38302	109,2362	1,223;925,1210;1542,2846
38303	50,8504	1,127;562,609;1125,1295;1396,1460;1652,1806;1885
		,2028;2128,2329;2827,2957;3050,3154;3378,3452;3550,3759;3840,4032;4353,4521;4811
		,5022;7093,7292;8074,8154;8334,8692
38303	50,8504	36,127;1125,1295;1396,1460;1652,1806;1885,2028;2
		128,2329;2827,2957;3050,3154;3378,3452;3550,3759;3840,4032;4353,4521;4811,5022;7
		093,7292;8074,8154;8334,8692
38303	50,8504	43,127;562,609;1125,1295;1396,1460;1652,1806;188
		5,2028;2128,2329;2827,2957;3050,3154;3378,3452;3550,3759;3840,4032;4353,4521;481
		1,5022;7093,7292;8074,8154;8334,8692
38304	28312,35560	1,88;28253,28345;29124,29270;29832,29873;347
		87,36209
38305	24644,26363	1,72;24110,24199;24630,24728;24923,25078;257
		10,25983;26091,26169;26174,26362
38305	24644,26363	23919,24199;24630,24728;24923,25078;25710,25
		983;26091,28034
38305	24644,26363	304,449;24110,24199;24630,24728;24923,25078;
		25710,25983;26091,26169;26174,26362
38306	226,9245	1,269;4737,4932;7096,7289;8497,8577;8986,9053;9
		058,9075;9080,9148;9153,9328
38306	226,9113	1,269;4737,4932;7096,7289;8497,8577;8986,9328
38306	226,9245	17,269;4737,4932;7096,7289;8497,8577;8986,9283
38307	140,1718	141,467;469,474;641,707;858,1004;1579,3590
38307	52,1718	1,58;147,458;623,707;858,1004;1579,3590
38308	345,931	1,464;554,622;832,2254
38309	78,26325	1,210;4052,4267;20188,20287;21463,21617;24086,2
		4352;26116,26345
38309	21587,24416	21588,21617;24086,24217;24222,25436
38309	78,26325	9,210;4052,4267;20188,20287;21463,21617;24086,2
		4352;26116,26345
38310	21983,22461	1,117;21853,22184;22450,22580;23034,23824
38310	21983,23126	1,117;21853,22184;23034,23824
38310	21983,29002	1,117;21853,22184;24095,24320;25792,25967;27
		561,27736;28501,29270
38310	21983,22461	1,117;21856,22184;22450,22580;23034,23824
38310	21983,23126	1,117;21856,22184;23034,23824

38310	21983,29002	1,117;21856,22184;24095,24320;25792,25967;27 561,27736;28501,29270
38310	21983,23126	58,117;21853,22184;23034,23821
38310	21983,29002	59,117;21853,22184;24095,24320;25792,25967;2 7561,27736;28501,29270
38311	99,10546	1,246;1227,1310;4427,4504;5112,5223;6550,6658;8 397,8450;10417,10850
38311	99,10546	26,246;1227,1310;4427,4504;5112,5223;6550,6658; 8397,8450;10417,10847
38312	87,29954	1,488;10439,10553;20151,20248;23540,23707;25320 ,25485;29898,33329
38312	23544,29954	23544,23585;23588,23707;25320,25485;29898,31 893
38312	87,29954	7,488;10439,10553;20151,20248;23540,23707;25320 ,25485;29898,31918
38313	15635,59773	1,241;15388,15916;29276,29469;36484,36856;42 256,42498;43817,43916;44008,44166;54525,54716;55463,55612;57271,57458;58072,5825 3;59604,59935
38313	15635,59773	15144,15916;29276,29469;36484,36856;42256,42 498;43817,43916;44008,44166;54525,54716;55463,55612;57271,57458;58072,58253;5960 4,60119
38313	36695,44058	15144,15916;29276,29469;36484,36856;43817,43 916;44008,44166;54525,54716;55463,55612;57271,57458;58072,58253;59604,60119
38314	41,49400	1,106;3745,3916;4306,4352;5669,5737;9765,9857;1 3601,13714;27305,27364;33615,33766;46742,46827;49284,49511
38315	37243,64742	1,91;10791,10957;14137,14243;15983,16108;204 68,20574;22582,22725;26048,26138;27110,29536;30688,30780;31359,31477;33421,33588 ;36271,36420;37194,37405;40420,40564;59270,59365;64532,64694;64697,64741
38315	10903,74049	5,91;10791,10957;14137,14243;15983,16108;204 68,20574;22582,22725;26048,26138;27110,29536;30688,30780;31359,31477;33421,33588 ;36271,36420;37194,37405;40420,40564;59270,59365;64532,64742;72048,72157;73973,7 7909
38316	223,763	1,59;168,883
38316	223,763	1,883
38317	154,41961	1,304;33721,33850;36461,36567;36653,36750;4024 8,40374;40483,40658;41880,41960
38317	154,74408	148,304;33721,33850;36461,36567;36653,36750;40 248,40374;40483,40658;74258,77727
38317	26709,74408	26709,26751;33721,33850;36461,36567;36653,36 750;40248,40374;40483,40658;74258,77727
38317	154,74408	28,304;33721,33850;36461,36567;36653,36750;402 48,40374;40483,40658;74258,74456;76963,77734
38318	6176,66342	1,187;6153,6286;23324,23545;23739,23851;31289 ,31398;32660,32779;38351,38555;40127,40266;53098,53283;53552,53707;55317,55409;5 9356,59433;61971,62028;65087,65187;66316,66735
38318	6176,66342	37,187;6153,6286;23324,23545;23739,23851;3128 9,31398;32660,32779;38351,38555;40127,40266;47314,47397;53098,53283;53552,53707; 55317,55409;59356,59433;61971,62028;65087,65187;66316,66743
38319	1160,6157	1,131;274,381;1142,1203;1288,1425;1704,1994;20 77,2351;2557,2736;3335,3434;5521,5729;6011,6534

38319	1160,6157	24,131;274,381;1142,1203;1288,1425;1704,1994;2077,2351;2557,2736;3335,3434;5521,5729;6011,6534
38320	807,2344	1,413;797,934;1263,1547;1625,1742;2137,2206;2288,2344
38320	55,2344	1,413;797,934;1263,1547;1625,1742;2137,2206;2288,2581
38320	55,2254	1,413;797,934;1263,1547;1625,1742;2137,2581
38320	55,2344	1,413;797,967;1239,1547;1625,1742;2137,2206;2288,2581
38320	55,2344	1,413;797,967;1263,1547;1625,1742;2137,2206;2288,2581
38320	807,1727	1,413;797,967;1324,1436;1441,1477;1699,1727
38320	484,2254	485,1547;1625,1742;2137,2577
38320	807,2344	808,934;1263,1547;1625,1742;2137,2206;2288,2575
38321	32,28108	1,108;2955,3103;7251,7340;9568,9723;10089,10163;12972,13044;16854,16891;17380,17508;18835,18928;20258,20371;22728,22865;23891,24054;28046,28636
38321	32,37965	1,108;2955,3103;7251,7340;9568,9723;10089,10163;12972,13044;16854,16891;17380,17508;18835,18928;37958,37965
38322	219,61918	1,272;7008,7106;18506,18565;19091,19162;24914,25001;28032,28073;28202,28260;29024,29170;32446,32528;36700,36858;38278,38466;40604,40646;40730,40786;40882,40970;46076,46240;46407,46459;47784,47958;58969,59005;59215,59355;60149,60196;61783,62934
38322	219,38379	182,272;7008,7106;18506,18565;19091,19162;24914,25001;28032,28073;28202,28260;29024,29170;32446,32528;36700,36715;36720,36858;38278,38466;40604,40646;40730,40786;40882,40970;46076,46240;46407,46459;47784,47958;58969,59005;59215,59355;60149,60196;61783,62516
38323	578,65873	1,782;26346,26463;32976,33183;34510,34657;35727,35873;46460,46642;59807,59983;62928,63000;65779,68295
38324	40,7452	1,256;453,565;3337,3496;6211,6363;6501,6623;6983,7164;7269,7481
38324	40,7452	21,256;453,565;3337,3496;6211,6363;6501,6623;6983,7164;7269,7473
38324	52,7452	30,256;453,565;3337,3496;6501,6623;6983,7164;7269,7473
38325	0,9952	1,210;1336,1482;6494,6634;7339,7443;9248,10062
38325	681,9952	404,711;1336,1482;6494,6634;7339,7443;7813,7914;9248,10037
38325	681,9952	404,711;1336,1482;6494,6634;7339,7443;7813,7914;9248,10057
38326	787,1849	12,643
38326	787,1849	7,871,848
38327	79,5990	1,259;4831,4977;5928,6046
38327	79,5013	80,259;4831,6043
38328	80,5991	1,259;4831,4977;5928,6048
38329	967,2859	1,48;956,1125;2179,2212;2215,2295;2301,2384;2387,2410;2413,2952
38329	962,2753	1,48;956,1125;2179,2952
38329	962,2753	953,1125;2179,2952
38330	1,44094	1,150;26520,26594;43827,45551

38330	124,1391	16,150;1016,1587
38330	124,1391	33,150;1016,1587
38330	124,44094	7,150;26520,26594;43827,45551
38331	85,14251	1,126;3246,3402;3643,3710;5438,5568;5682,5829;5
		924,6050;7452,7600;8353,8424;9960,10118;12287,12412;12824,12899;14228,14644
38331	85,14251	1,126;3246,3402;3643,3710;5438,5568;5682,5829;5
		924,6050;7458,7600;8353,8424;9960,10118;12287,12412;12824,12899;14228,14645
38332	2428,3735	1,120;2368,2610;2694,2789;2998,3075;3329,3349;
		3354,3486;3598,3830
38332	2428,3735	1,120;2368,2610;2694,2789;2998,3101;3356,3486;
		3598,3830
38332	2428,3735	1,79;2368,2610;2694,2789;2998,3101;3356,3486;3
		598,3830
38333	32,20511	1,65;507,584;4328,4409;5891,6062;7241,7414;1057
		9,10654;13592,13711;15966,16025;17234,17272;19066,19147;20416,20429;20434,20581;
		21395,21554;21819,21892;24784,25999
38333	32,20511	1,65;507,584;4328,4409;5891,6062;7241,7414;1057
		9,10654;13592,13711;15966,16025;17234,17272;19066,19147;20416,20581;21395,21554;
		21819,21892;24784,25999
38334	120,7771	1,213;2647,2766;3172,3286;3387,3435;3703,3744;4
		506,4549;4696,4766;5093,5185;5451,5555;7525,7581;7670,8705
38334	120,7771	1,213;2647,2766;3172,3286;3387,3435;3703,3744;4
		506,4549;4696,4766;5093,5185;5478,5555;7525,7581;7670,8705
38334	120,7771	35,213;2647,2766;3172,3286;3387,3435;3703,3744;
		4506,4549;4696,4766;5093,5185;5478,5555;7525,7581;7670,8705
38335	53,446	1,534
38336	54,447	1,534
38336	54,447	54,446
38337	98,3710	1,167;726,802;3623,4189
38337	98,3710	13,167;726,802;3623,4191
38338	3607,20160	1,78;3587,3678;4580,4658;7165,7261;8576,8684;
		13321,13381;14399,14512;16932,16990;17688,17780;20106,20428
38339	236,16225	1,397;5522,5567;5683,5772;8517,8626;9897,9983;
		10664,10748;11476,11580;11749,11876;14947,15082;15304,15379;15516,15622;16142,17
		476
38339	5528,16225	1,397;5522,5567;5683,5772;8517,8626;9897,9983
		;10664,10748;11476,11580;11749,11876;14947,15082;15304,15379;15516,15622;16142,1
		7476
38339	5528,16225	1,747;5522,5567;5683,5772;8517,8626;9897,9983
		;10664,10748;11476,11580;11749,11876;14947,15082;15304,15379;15516,15622;16142,1
		7476
38339	236,16225	237,397;5522,5567;5683,5772;8517,8626;9897,998
		3;10664,10748;11476,11580;11749,11876;14947,15082;15304,15379;15516,15622;16142,
		16479
38340	91,319510	1,204;90169,90240;95279,95558;201073,201290;24
		4572,244641;281256,281365;300258,300339;301761,301819;304001,304046;306485,30653
		9;307868,307994;310825,310990;311327,311364;312486,312632;316093,316186;319478,3
		19769
38340	90187,319510	61870,62294;90168,90240;95279,95558;201073,
		201290;244572,244641;281256,281365;300258,300339;301761,301819;304001,304046;306

485,306539;307868,307994;310825,310990;311327,311364;312486,312632;316093,316186
;319478,320582

38341 46233,110772 1,222;43578,43629;46205,46336;53164,53317;5
5942,56129;59235,59378;61873,61995;67125,67328;74849,75109;82314,82413;85696,858
44;90645,90764;101344,101495;110623,110837;110945,111291

38341 46233,110772 2,222;43578,43629;46205,46336;53164,53317;5
5942,56140;59228,59378;61873,61995;67125,67328;74849,75109;82314,82413;85696,858
44;101344,101495;110623,111273

38341 46233,101495 33717,33797;34513,34791;43578,43629;46205,4
6336;53164,53317;55942,56140;59228,59378;61873,61995;67125,67328;74849,75109;823
14,82413;85696,85844;90645,90764;101344,101495;110623,111291

38341 46233,110772 378,467;43578,43629;46205,46336;53164,53317
;55942,56140;59228,59378;61873,61995;67125,67328;74849,75109;82314,82413;85696,8
5844;90645,90764;101344,101495;110623,111291

38341 46233,110772 6,222;43578,43629;46205,46336;53164,53317;5
5942,56129;59235,59378;61873,61995;67125,67328;74849,75109;82314,82413;85696,858
44;90645,90764;101344,101495;110623,111298

38341 46233,110772 639,1160;43578,43629;46205,46336;53164,5331
7;55942,56125;59228,59378;61873,61995;67125,67328;74849,75109;82314,82413;85696,
85844;90645,90764;101344,101495;110623,111291

38342 8187,10310 1,97;3703,3900;8088,8262;9036,10615

38343 338,1255 1,108;243,399;827,931;1116,1410

38343 6583,8882 86,108;243,399;827,931;6584,6659;6842,6892;749
5,7661;8425,8565;8654,8727;8801,8924

38344 7990,13573 1,83;7871,8392;9420,9569;10853,10941;11249,11
351;11991,12083;12878,14416

38344 7990,13573 47,327;7871,8392;9420,9569;10853,10941;11249,
11351;11991,12083;12878,14416

38345 57,152939 1,183;79202,79662;123330,123496;126618,126748;
126986,127065;129337,129519;133269,133386;135218,135340;145180,145398;148856,148
954;149653,149781;152802,155188

38345 57,152939 26,183;79202,79662;123330,123496;126618,126748
;126986,127065;129337,129519;133269,133386;135218,135340;145180,145398;148856,14
8954;149653,149781;152802,155188

38346 532,2895 173,738;2467,2627;2771,2991

38346 532,2895 1,738;2467,2597;2771,2995

38346 532,2895 177,738;2467,2627;2771,2991

38347 17481,51537 1,342;17480,17583;19301,19362;26012,26153;34
117,34262;42600,42745;44149,44246;47002,47114;51405,51666

38347 17481,51662 1,342;17480,17583;19301,19362;26012,26153;34
117,34262;42600,42745;44149,44246;51405,51666

38347 17481,47096 17481,17583;19301,19362;26012,26153;34117,34
262;42600,42745;44149,44246;46927,46930;47050,47095

38347 17481,42626 17481,17583;19301,19362;26012,26153;42600,42
745;44149,44246;47002,47114;51405,51638

38347 17481,51537 21,192;17480,17583;19301,19362;42600,42745;4
4149,44246;47002,47114;51405,51661

38348 107,28833 1,344;11334,11530;22046,22131;24468,24566;2867
6,29348;29355,30818

38348 107,28833 1,344;11334,11530;22046,22131;24468,24566;2867

6,30818

38349 323,11110 1,393;481,612;2608,2704;3244,3346;9618,9747;10

315,10408;10939,11537

38350 3008,24790 1091,1400;2961,3122;5087,5197;6316,6396;6932,

7081;7964,8119;15766,16258;17894,18681;19196,19343;19598,19809;20455,20569;22187

,22295;22507,22657;23160,23391;24636,24895;25060,25153;25907,26793

38350 3008,24790 1,158;2961,3122;5087,5197;6316,6396;6932,7081

;7964,8119;15766,16258;17894,18681;19196,19343;19598,19809;20455,20569;22187,222

95;22507,22657;23160,23391;24636,25624

38351 7,3284 1,515;689,792;3045,3856

38351 7,3288 1,515;689,792;3045,3856

38352 47,54146 1,213;595,651;11719,11796;14697,14749;16744,169

05;18604,18728;19725,19803;29665,29883;36163,36240;44570,44627;53911,55074

38352 524,54255 471,651;11719,11796;14697,14749;16744,16905;18

604,18728;19725,19803;29665,29883;36163,36240;44570,44627;53207,53448;53911,5672

2

38352 602,54255 471,651;11719,11796;14697,14749;16744,16905;18

604,18728;19725,19803;29665,29883;36163,36240;44570,44627;53207,53448;53911,5672

2

38353 801,4119 17,79;787,975;1466,1576;2651,2707;2871,3083;361

3,3723;4078,4371

38353 801,4119 1,79;787,975;1466,1576;2651,2707;2871,3083;3613

,3723;4078,4368

38354 2,106532 1,280;91732,91797;92587,92787;93402,93584;95320

,95562;99466,99613;101176,101288;103240,103430;105388,105532;106445,107631

38354 84615,106532 84527,84716;91732,91797;92587,92787;93402,9

3584;95320,95562;99466,99613;101176,101288;103240,103430;105388,105532;106445,10

7631

38354 92617,106532 85087,85325;91732,91797;92587,92787;93402,9

3584;95320,95562;99466,99613;101176,101288;103240,103430;105388,105532;106445,10

7631

38355 74,8612 11,203;535,617;1035,1145;1461,1552;2890,3066;391

7,4012;4539,4622;6722,6862;8560,8841

38355 74,8612 1,203;535,617;1035,1145;1461,1552;2890,3066;3917

,4012;4539,4622;5665,5760;6722,6862;8560,8831

38356 57,1486 1,151;875,979;1215,1349;1431,2040

38356 57,1486 19,151;1215,1349;1431,2040

38356 57,1486 19,151;875,979;1215,1349;1431,2040

38357 2981,10829 1,93;2911,3022;4644,4849;7914,7978;8067,8167;

8635,8723;8803,8901;8995,9102;10487,10547;10721,11549

38358 323,35439 1,179;193,430;12399,12638;15695,15790;19247,19

333;26560,26671;29007,29153;31789,31873;35261,35763

38358 323,35439 1,430;12399,12638;15695,15790;19247,19333;2656

0,26671;29007,29153;31789,31873;35261,35761

38358 323,35439 1,430;12399,12638;15695,15790;19247,19333;2656

0,26671;29007,29153;31789,31873;35261,35763

38358 12441,35439 15,93;12399,12638;15695,15790;19247,19333;26

560,26671;29007,29153;31789,31873;35261,36872

38358 12441,35439 1,93;12399,12638;15695,15790;19247,19333;265

60,26671;29007,29153;31789,31873;35261,35763

38359	84182,84703	1,381;83259,84474;84555,85077
38360	50,9459	1,338;4551,4658;5666,5767;6088,6228;9322,9664
38361	50,9459	1,338;4551,4658;5666,5767;6088,6228;9322,9664
38362	207,2509	106,319;890,1060;1228,1301;1539,1661;1815,1942;
2361,3611		
38362	207,2509	1,319;890,1060;1228,1301;1539,1661;1815,1942;23
61,2477;2482,2508		
38362	207,2888	207,319;890,1060;1228,1301;1539,1661;1815,1942;
2361,2484;2823,3541		
38362	207,2496	4,319;890,1060;1228,1301;1539,1661;1815,1942;23
61,3611		
38363	3024,30978	1,50;1308,1477;1715,1844;1865,1979;2945,3060;
3493,4704;18815,18982;19088,19190;20718,20957;21546,21633;22843,23062;24412,2455		
4;27287,27487;27569,27658;30924,32796;32825,33263		
38363	2949,30978	2949,3060;3493,4704;18815,18982;19088,19190;2
0718,20957;21546,21633;22843,23062;24412,24554;27287,27487;27569,27658;30924,318		
00		
38363	3024,30978	3024,3060;3493,4704;18815,18982;19088,19190;2
0718,20957;21546,21633;22843,23062;24412,24554;27287,27487;27569,27658;30924,318		
00		
38363	31998,32298	3,199,832,297
38364	108,51123	1,249;17241,17354;18048,18170;25963,26088;2710
7,27170;30268,30413;36546,36620;38791,38943;42941,43046;44753,44829;46479,46684;		
48056,48264;51050,53845		
38364	51656,52262	48040,48264;51050,53845
38365	335,7683	1,142;231,380;2532,2644;2909,3325;4492,4565;526
8,5379;5777,5839;6276,6415;7583,8545		
38365	3236,7683	335,380;1403,1471;2532,2644;2909,3325;4492,456
5;5268,5379;5777,5839;6276,6415;7583,7682		
38366	1,6014	1,160;641,764;963,1012;3369,3407;3610,3759;4962,5
065;5188,5342;5782,6963		
38366	3048,6014	3049,3090;3369,3407;3610,3759;4962,5065;5188,5
342;5782,6954		
38366	139,6014	45,160;641,764;963,1012;3369,3407;3610,3759;496
2,5065;5188,5342;5782,6954		
38367	206,76851	1,339;8498,8601;11113,11233;20952,21065;26048,
26145;37301,37415;37622,37703;41743,41890;49099,49179;53263,53387;59327,59391;59		
524,59646;62783,62896;63957,64082;68625,68694;69416,69474;71284,71486;76714,7793		
7		
38367	206,71355	63,339;8498,8601;11113,11233;20952,21065;26048
,26145;37301,37415;37622,37703;41743,41890;49099,49179;53263,53387;59327,59391;5		
9524,59646;62783,62896;63957,64082;68625,68629;68634,68694;69416,69474;71284,714		
86;76714,77937		
38367	206,76851	83,339;8498,8601;11113,11233;20952,21065;26048
,26145;37301,37415;37622,37703;41743,41890;49099,49179;53263,53387;59327,59391;5		
9524,59646;62783,62896;63957,64082;68625,68694;69416,69474;71284,71486;76714,779		
41		
38367	21025,69418	9,339;8498,8601;11113,11233;20952,21065;2604
8,26145;37301,37415;37622,37703;41743,41890;49099,49179;53263,53387;68625,68694;		
69416,69474;76714,77936		

38368 70452, 251179 1, 26; 70442, 70556; 77122, 77260; 147249, 147357; 155576, 155675; 171303, 171494; 177003, 177124; 246411, 246507; 246960, 247124; 250822, 251570

38369 0, 207464 1, 68; 2472, 2562; 6054, 6164; 7520, 7675; 49043, 49153; 206492, 206551; 207426, 208261

38369 27, 207464 5, 68; 2472, 2562; 6054, 6164; 7520, 7675; 49043, 49153; 206492, 206551; 207426, 208256

38370 9498, 30508 1, 158; 9463, 9578; 25015, 25086; 30421, 30792

38370 9498, 30508 1, 158; 9463, 9578; 25015, 25086; 30421, 30796

38371 3414, 6824 1, 165; 3403, 3532; 4899, 5095; 5407, 5604; 6651, 10385

38372 162, 64087 1, 276; 14446, 14665; 25567, 25650; 26956, 27094; 31148, 31288; 32055, 32199; 56147, 56347; 56458, 56598; 60740, 60925; 61590, 61696; 63904, 64195

38372 162, 64087 1, 276; 14446, 14665; 25567, 25650; 26956, 27094; 31148, 31288; 32055, 32199; 56147, 56347; 56458, 56598; 60740, 60925; 61590, 61696; 63904, 64196

38373 65, 4630 1, 161; 763, 872; 1553, 1669; 2893, 2976; 4468, 4772

38373 65, 29732 1, 161; 763, 872; 1553, 1669; 2893, 2976; 8788, 8940; 17372, 17465; 18482, 18616; 24151, 24308; 24736, 24841; 24922, 25003; 25669, 25752; 26509, 26598; 29668, 30664

38374 207, 49319 1, 467; 7862, 7985; 9772, 9868; 11257, 11354; 13464, 13576; 14446, 14511; 17858, 17942; 19967, 20057; 25138, 25275; 31593, 31662; 35215, 35290; 40034, 40179; 42060, 42147; 49224, 49910

38374 207, 49319 15, 467; 7862, 7985; 9772, 9868; 11257, 11354; 13464, 13576; 14446, 14511; 17858, 17942; 19967, 20057; 25138, 25275; 31593, 31662; 35215, 35290; 40034, 40179; 42060, 42147; 49224, 49946

38375 0, 56126 1, 188; 11093, 11217; 11621, 11739; 24966, 25198; 27161, 27373; 32101, 32244; 34178, 34346; 40847, 40994; 44440, 44590; 45396, 45552; 50340, 50531; 55990, 56946

38375 2, 56126 3, 188; 11093, 11217; 11621, 11739; 24966, 25198; 27161, 27373; 32101, 32244; 34178, 34346; 40847, 40994; 44440, 44590; 45396, 45552; 50340, 50531; 55990, 56504

38375 40923, 60026 32099, 32244; 34178, 34346; 40847, 40994; 44440, 44590; 45396, 45552; 50340, 50531; 59926, 60026

38376 1, 55995 1, 188; 11160, 11284; 11688, 11806; 24930, 25162; 27123, 27335; 32094, 32237; 34147, 34315; 40812, 40959; 44389, 44539; 45347, 45503; 50294, 50485; 55858, 56814

38377 12455, 13901 1, 475; 11946, 13181; 13470, 14676

38377 414, 164508 363, 475; 61426, 61546; 73508, 73620; 76824, 76912; 77032, 77143; 77751, 77878; 93932, 94080; 99874, 100024; 105733, 105898; 109513, 109586; 110296, 110440; 117820, 117965; 120955, 121098; 122219, 122476; 127521, 127651; 130789, 130955; 132389, 132525; 134834, 134944; 137335, 137544; 139641, 139721; 141682, 141758; 144104, 144193; 145951, 146053; 149458, 149571; 151647, 151748; 151897, 152001; 157000, 157092; 159402, 159518; 164464, 165711

38378 12, 25743 1, 272; 3610, 3720; 4647, 4764; 11705, 11839; 12808, 13012; 16782, 16901; 21494, 21570; 21660, 21766; 22256, 22388; 23781, 23908; 24998, 25204; 25476, 27455

38379 5996, 14943 1, 139; 5981, 6066; 10707, 10808; 12972, 13059; 14904, 15479

38379 5996, 14943 1, 139; 5981, 6066; 10707, 10808; 12972, 13059; 14904, 15482

38380 152, 10848 129, 299; 4500, 4613; 5518, 5639; 7575, 7715; 9877, 996

6;10755,11107

38380 152,10848 1,299;4500,4613;5518,5639;7575,7715;9877,9966;

10755,11104

38381 7726,13013 1,100;7678,7865;9143,9193;9689,9785;10379,105

14;10636,10719;10819,10907;11484,11539;11626,11713;11788,11874;12206,12335;12951,14993

38381 7832,13013 22,100;7678,7865;8977,9193;9689,9785;10379,10

514;10636,10719;10819,10907;11484,11539;11626,11713;11788,11874;12206,12335;12951,14999

38381 7726,13013 22,100;7678,7865;9143,9193;9689,9785;10379,10

514;10636,10719;10819,10907;11484,11539;11626,11713;11788,11874;12206,12335;12951,14999

38382 55,3133 1,181;520,674;1513,1622;2012,2199;2273,2373;2479

,2758;2842,2933;3022,4192

38382 1394,3133 1395,1622;2273,2373;2479,2758;2842,2933;3022,3

646

38383 91,12567 1,218;1447,1562;6043,6207;7879,7978;9239,9293;9

627,9711;10296,10420;12480,13248

38383 91,12567 91,218;1447,1562;6043,6207;7879,7978;9239,9293;

9627,9711;10296,10420;12480,13558

38384 91,12567 1,218;1447,1562;6043,6207;7879,7978;9239,9293;9

627,9711;10296,10420;12480,13248

38384 91,12567 91,218;1447,1562;6043,6207;7879,7978;9239,9293;

9627,9711;10296,10420;12480,13558

38385 1,50865 1,113;214,365;31337,31567;40139,40195;44921,4502

9;45118,45275;46184,46369;47775,47923;48974,49067;49519,49581;49663,49799;50841,52649

38385 25,49543 25,113;214,365;31337,31567;40139,40199;49016,49

067;49519,49581;49662,49799;50840,51273

38385 4,50865 4,113;214,365;31337,31567;40139,40195;44921,4502

9;45118,45275;46184,46369;47775,47923;48974,49067;49672,49799;50841,52649

38385 4,50865 4,113;214,365;31337,31567;40139,40195;44921,4502

9;45118,45275;47775,47923;48974,49067;49519,49581;49663,49799;50841,52649

38385 323,50865 5,113;214,365;31337,31567;40139,40195;44921,45

029;45118,45275;46184,46369;47775,47923;48974,49067;49519,49581;49663,49799;50841,52649

38386 144,8237 1,657;8124,9723

38386 144,8237 68,657;8124,9723

38387 2243,8949 1,142;1372,1546;2230,2309;4102,4290;4391,4526;

5787,6058;7083,7259;8283,8389;8731,8782;8917,10266

38388 260,30053 1,646;13648,13810;15700,15795;27493,27654;2978

1,31136

38389 13921,92808 1,250;11835,12001;13886,14077;14518,14730;21

087,21264;21883,22024;25885,26042;44717,44758;45416,45571;47643,47775;70563,7062

7;72818,72866;73269,73416;78656,78866;79567,79696;80323,80404;83848,84077;86721,

86804;87035,87130;89816,89899;89994,90157;90987,91088;92684,95070

38390 20,12199 1,197;473,723;4696,4844;9013,9158;10005,10111;1

0580,10643;11202,11312;12155,14060

38391 107214,110260 101780,101817;107186,107247;109250,110542;

110623,110722;110926,111132;111234,111318;111812,112028;119946,120091;120212,120

412;120495,120593;160730,160819

38391 136752,142580 136687,136893;139886,140011;140954,141187;
142062,142265;142437,142905

38391 136752,142580 136687,136893;139886,140011;140954,141187;
142062,142265;142437,142915

38391 453227,481560 1,37;183038,183073;295707,295738;453208,45
3398;463856,463959;471164,471317;477252,477477;481235,482767

38391 142067,142846 142067,142201;142204,142265;142437,142915

38392 81,4660 1,254;1181,1245;1683,1772;1885,1961;4173,4217;44
17,4470;4577,4914

38393 44,16441 1,156;9773,9963;10149,10255;10441,10611;10694,1
0765;11682,11871;11958,12019;12161,12180;15208,15306;15373,15466;15560,15622;157
00,15822;15931,16038;16110,16266;16361,16578

38393 44,16441 1,156;9773,9963;10149,10255;10441,10611;10694,1
0765;11682,11871;11958,12019;12747,12763;15208,15306;15373,15466;15560,15622;157
00,15822;15931,16038;16110,16266;16361,16578

38393 44,15732 1,156;9773,9963;10149,10255;10441,10611;10694,1
0765;11682,11871;11958,12019;15208,15466;15560,15622;15700,15822;15931,16038;161
10,16266;16361,16578

38394 346,1425 1,106;319,440;757,813;926,1054;1289,1662

38394 346,1425 1,440;757,813;926,1054;1289,1662

38394 346,1425 1,440;926,1054;1289,1662

38395 558,6887 1,867;6768,9311

38395 558,6887 476,867;6768,9309

38396 3073,32785 1,57;3040,3331;13182,13403;28175,28343;32493,
33085

38396 3073,32785 43,316;3040,3331;13182,13403;28175,28343;3249
3,33090

38397 3,15310 1,210;9973,10040;10110,10197;13809,13895;15152,1
6729;16930,17117;22539,22589;25166,25539

38397 90,25244 37,210;9973,10040;10110,10197;13809,13895;16673
,16729;16930,17117;22539,22589;24279,24326;25166,25530

38397 90,25244 60,210;9973,10040;10110,10197;13809,13895;15152
,15244;16673,16729;16930,17117;22539,22589;24279,24326;25166,25530

38398 74,13665 1,190;503,1125;2250,2382;3519,3693;4815,4934;53
64,5481;6744,6925;7677,7818;8079,8154;8222,8425;12769,12898;13134,13369;13452,13
822

38399 1,20550 1,80;4369,4487;5097,5217;6355,6443;10867,10960;1
1463,11537;14085,14163;17686,17784;20054,20109;20459,20629

38399 73,20550 6,80;4369,4487;5097,5217;6355,6443;10867,10960;
11463,11537;14085,14163;17686,17784;20054,20109;20459,20629

38400 270,930 11,461

38401 1,65778 1,160;30917,31005;35365,35620;46748,47083;63612,
63827;65620,66299

38401 118,65778 5,160;30917,31005;35365,35620;46748,47083;6361
2,63827;65620,66299

38402 445,1401 1,47;411,496;756,1201;1299,1471

38402 337,1401 335,496;756,1201;1299,1464

38403 444,1400 1,47;411,496;756,1201;1299,1471

38404 70,12709 1,93;3427,3515;5150,5522;5685,5839;8183,8294;11

485,11671;12620,14119
 38404 70,12709 2,93;3427,3515;5150,5522;5685,5839;8183,8294;11
 485,11671;12620,14119
 38405 332,60045 1,367;19973,20175;49511,49641;58187,58370;5850
 9,58675;59929,60739;60750,62802
 38405 332,60045 41,367;19973,20175;49511,49641;58187,58370;585
 09,58675;59929,62802
 38406 46,33756 1,266;5700,5820;12226,12356;14631,14782;18336,1
 8423;20260,20327;22345,22365;26247,26381;26888,27013;27406,27491;28113,28253;308
 31,30993;33075,33200;33613,33757;34907,34989
 38407 3388,4423 1,111;2698,4672
 38408 44,27268 1,79;15543,15746;16728,16840;20171,20264;22157,
 22190;24055,24229;26550,26738;26931,27767
 38408 44,27268 1,79;15543,15746;16728,16840;20171,20264;22157,
 22190;24055,24229;26550,26738;26931,27777
 38408 6037,27268 6009,6162;15543,15746;16728,16840;20171,20264
 ;22157,22190;24055,24229;26550,26738;26931,27767
 38408 6037,27268 6011,6162;15543,15746;16728,16840;20171,20264
 ;22157,22190;24055,24229;26550,26738;26931,27767
 38409 528,8068 1,341;443,584;689,757;875,1017;1102,1174;1267,1
 387;3519,3600;4798,4877;5117,5195;5326,5356;5438,5514;5682,5731;6064,6195;6579,6
 645;6750,6889;7058,7106;7370,7436;7568,7699;7773,7879;7983,8229
 38410 124,25232 1,436;1828,1916;8728,8881;9541,9689;14960,1504
 9;17655,17717;21581,21741;25060,25692
 38410 124,25232 1,436;1828,1916;8728,8881;9541,9689;14960,1504
 9;17655,17717;21581,21741;25060,25696
 38411 15,41763 1,188;26089,26231;29440,29536;30630,30775;33245
 ,33387;35409,35520;35846,35958;36209,36286;38866,38975;39288,39405;41593,42449
 38411 15,41763 1,188;26089,26260;29445,29536;30630,30775;33245
 ,33387;35409,35520;35846,35958;36209,36286;38866,38975;39288,39405;41593,42449
 38411 33,41763 33,188;26089,26260;29445,29536;30630,30775;3324
 5,33387;35409,35520;35846,35958;38866,38975;39288,39405;41593,41762
 38412 386,770 1,831;2994,3675
 38412 386,770 1,831;2994,3677
 38413 73,21665 1,292;1149,1257;1943,2079;9311,9465;10902,11011
 ;12770,12955;14079,14227;14558,14746;19199,19389;19763,19883;20324,20521;20605,2
 0736;21462,22261
 38413 73,21665 22,292;1149,1257;1943,2079;9311,9465;10902,1101
 1;12770,12955;14079,14227;14558,14746;19199,19389;19763,19883;20324,20521;20605,
 20736;21462,22255
 38414 33,4262 12,394;971,1085;1210,1329;3742,3884;4189,5244
 38414 6,4262 1,394;971,1085;1210,1329;3742,3884;4189,5241
 38415 197,112216 1,279;10115,10213;63712,63719;63724,63857;724
 11,72461;74461,74523;77454,77554;84529,84564;87959,88044;89817,89866;95852,96069
 ;99310,99608;108522,108722;108811,108891;111173,111275;112011,115407
 38415 147,112216 144,279;10115,10213;63712,63831;72400,72461;7
 4461,74523;77454,77554;84528,84564;87959,88044;89817,89866;95852,96069;99310,996
 08;108522,108722;108811,108891;111173,111275;112008,112567
 38416 72,22109 1,271;17655,17865;21044,22608
 38416 42,22109 1,271;17655,17865;21044,22622

38416	72,2522	1,271;2440,2729
38417	115,40149	1,269;1176,1381;6498,6707;8185,8373;9609,9750; 16753,16965;21836,22029;22440,22721;24239,24693;27819,28010;31216,31525;34598,34 761;39933,40303
38417	1288,22492	17,78;1176,1381;6498,6707;8185,8373;9609,9750 ;16753,16965;22440,22721;24239,24693;27819,28010;31216,31525;34598,34761;39933,4 0308
38418	3635,20076	1,72;3567,3690;9466,9724;15527,15664;17703,17 872;18847,19005;19952,20563;21762,22852
38418	3635,20076	28,72;3567,3690;9466,9724;15527,15664;17703,1 7872;18847,19005;19952,20519
38419	4315,8519	1,37;4288,4529;8413,8786
38419	4315,8519	287,397;4288,4529;8413,8786
38420	32493,41121	1,103;4737,4806;32488,32603;35737,35866;3876 8,38864;39629,39864;39866,39892;40978,41121
38420	32493,41121	14344,14447;32488,32603;35737,35866;38768,38 864;39629,39863;40965,41349;41733,43218
38420	32493,41121	14344,14447;32488,32603;35737,35866;38768,38 864;39629,39864;39866,39892;40978,41121
38421	2200,4132	1,66;1972,2492;3057,4583
38421	2200,4132	18,934,583
38422	84,357	1,171;262,1999
38422	84,1698	1,171;262,353;1662,1999
38422	84,1879	1,171;262,353;1738,1999
38423	112,3045	1,163;431,501;894,982;1081,1178;1286,1374;2104, 2298;2946,3098
38423	484,2990	1,212;431,501;894,982;1081,1178;1286,1374;2104, 2293;2946,3098
38423	112,3045	16,163;431,501;894,982;1081,1178;1286,1374;2104 ,2298;2946,4257
38424	51,25048	1,192;16283,16400;20054,20133;22672,22843;23740 ,23807;24983,26321
38424	347,25048	227,425;16283,16400;20054,20133;22672,22843;23 740,23807;24983,26321
38424	51,25048	37,192;16283,16400;20054,20133;22672,22843;2374 0,23807;24983,26321
38425	134,8077	1,916;2058,2182;3871,3944;4193,4989;4992,5045;5 050,5778;5781,5933;5938,7149;7154,7180;7186,8076
38425	134,8077	1,916;2058,2182;3871,3944;4193,8632
38425	6115,7818	6115,7009;7253,7285;7451,7788;7794,7817
38426	84,1923	1,271;610,806;1642,2047
38426	84,1923	34,271;610,806;1642,2047
38427	112024,114601	1,247;22594,22738;112023,114956
38427	112024,114601	910,1141;22594,22738;112023,114956
38427	112552,114601	910,1141;22594,22738;112023,114956
38428	5034,7456	1,23;1069,1155;5015,5318;6351,6470;7327,7455
38428	5034,6879	1,23;1069,1155;5015,5318;6351,7506
38428	5034,6879	5034,5237;5256,5267;6609,6878
38429	110,1983	1,281;1325,1531;1624,2029
38429	110,1983	8,281;1325,1531;1624,2025

38430 78,33646 1,134;21252,21352;25810,25858;27493,27610;27934
 ,28069;32858,33025;33546,34064
 38431 3762,56047 1,118;3757,3881;5499,5586;12824,12953;13247,1
 3322;14066,14137;22914,23040;28004,28090;29921,29989;32955,33109;44990,45077;462
 09,46317;51543,51688;56000,56285
 38431 3762,56047 3,118;3757,3881;5499,5586;12824,12953;13247,1
 3322;14066,14137;22914,23040;28004,28090;29921,29989;32955,33109;44990,45077;462
 09,46317;51543,51688;56000,56286
 38432 140,11143 1,622;10348,12044
 38432 140,11143 1,622;10348,12050
 38433 492,208306 1,609;120979,121174;160378,160558;198502,1987
 09;203405,203622;208189,209783
 38434 234,27555 1,312;1269,1400;2132,2431;3393,3532;3793,3994;
 10528,10713;11436,11604;13504,13667;19189,19389;20828,20966;21786,21982;22303,22
 497;25524,25715;25822,26013;26727,26844;26970,27066;27525,27743
 38434 234,27555 163,312;1269,1400;2342,2431;3393,3532;3793,399
 4;10528,10713;11436,11604;13504,13667;19189,19389;20828,20966;21786,21982;22303,
 22497;25524,25715;25822,26013;26510,26548;26727,26844;26970,27066;27525,27743
 38434 234,27555 189,312;1269,1400;2132,2431;10528,10713;11436,
 11604;13504,13667;19189,19389;20828,20966;21786,21982;22303,22497;25524,25715;25
 822,26013;26510,26548;26727,26844;26970,27066;27525,28092
 38435 5075,7703 1,14;4974,5293;6239,6403;6944,7933
 38436 216,6049 1,344;1675,1737;3084,3261;3562,3698;5620,5682;5
 950,6277
 38437 1154,18942 1,65;1079,1327;3376,3469;11317,11475;14505,14
 707;18265,18360;18771,20582
 38437 1154,18942 1,65;797,1327;3376,3469;11317,11475;14505,147
 07;18265,18360;18771,20582
 38437 1154,18942 1,65;981,1327;3376,3469;11317,11475;14505,147
 07;18265,18360;18771,20582
 38438 9518,10058 1,125;9518,10189
 38438 7598,8339 86,125;7307,8625;9518,10188
 38439 1,757656 1,164;152124,152187;171744,171851;176681,176738
 ;179881,180017;577281,577348;579185,579287;591578,591688;643332,643419;648548,64
 8720;743070,743177;757554,757874
 38439 152137,757656 89809,89922;152124,152187;171744,171851;17
 6681,176738;179881,180017;577281,577348;579185,579287;591578,591688;643332,64341
 9;648548,648722;743069,743177;757554,757875
 38440 178,550 11,437
 38440 178,550 178,549
 38441 39,20602 1,240;4700,4798;10967,11197;12829,12854;18719,1
 8843;20076,21685
 38441 39,20100 2,240;4700,4798;10967,11197;12829,12854;20076,2
 1692
 38441 10969,20602 4725,4796;10965,11197;12829,12854;18719,1884
 3;20076,21684
 38442 445,23391 1,663;10725,10853;10974,11104;11461,11540;1525
 2,15339;16174,16306;18263,18363;20574,20669;22402,22567;23247,23447
 38443 62285,66941 1,431;57686,57760;62093,62629;66524,66941
 38443 62285,66941 931,1152;62093,62629;66524,67574

38444 51204,51726 1,187;47171,54456
 38445 2425,23330 1,629;736,1069;1177,1926;2426,2596;6688,6777;
 7201,7282;9020,9162;15127,15204;20483,20583;21424,21547;21921,22097;22564,22674;
 23172,24315;25864,25999;26084,27242
 38445 903,23330 843,1054;1741,1926;2426,2596;6688,6777;7201,72
 82;9020,9162;15127,15204;20483,20583;21424,21547;21921,22097;22564,22674;23172,2
 3847
 38445 903,23330 904,945;950,1054;1741,1926;2426,2596;6688,6777
 ;7201,7282;9020,9162;15127,15204;20483,20583;21424,21547;21921,22097;22564,22674
 ;23172,24315;25864,25999;26084,27242
 38446 507,21396 1,205;428,1809;21382,21395
 38446 507,2982 22,205;428,1809;2965,5050
 38446 507,3004 507,1604;2965,5037
 38447 772,13491 1,122;759,845;1254,1505;1583,1858;11879,12148;
 12829,12945;13382,13703
 38447 772,13491 607,845;1254,1505;1583,1858;11879,12148;12829,
 12945;13382,13703
 38447 772,13491 740,845;1254,1505;1583,1858;11879,12148;12829,
 12945;13382,13703
 38448 160,12434 1,260;2731,2759;6050,6186;7213,7411;7511,7654;
 9069,9271;10015,10291;10779,10970;11391,12683
 38448 160,12434 1,260;2731,2945;3168,3386;4156,4487;6037,6186;
 7213,7411;7511,7654;9069,9271;10015,10291;10779,10970;11391,12685
 38448 160,12434 1,260;2731,2945;3168,3386;4156,4487;6037,6186;
 7216,7411;7511,7654;9069,9271;10015,10291;10779,10970;11391,12685
 38449 737,12979 1,1288;6988,7119;7211,7344;7440,7606;10442,106
 41;12940,13530
 38449 906,12979 1,1288;6988,7119;7211,7344;7440,7606;10442,106
 41;12940,13530
 38449 906,12979 906,917;920,1153;1158,1241;1244,1288;6988,7119
 ;7211,7344;7440,7606;10442,10641;12940,13525
 38450 10562,17188 10271,10686;10836,10968;13632,13718;13815,13
 887;14012,14091;14658,14768;14899,14959;15203,15305;15443,15523;16920,17639
 38450 10562,17188 10271,10686;10836,10968;13632,13718;13815,13
 888;14014,14091;14658,14768;14899,14959;15203,15305;15443,15523;16920,17636
 38450 10562,17112 1,281;10532,10686;10836,10968;13632,13718;13
 815,13887;14012,14091;14658,14768;15443,15523;16920,17635
 38450 15451,17588 180,298;10544,10686;10835,10968;13631,13718;
 13814,13887;14011,14091;14657,14768;15202,15305;15442,15523;16920,17635
 38450 10562,17188 55,298;10545,10686;10836,10968;13632,13718;1
 3815,13887;14012,14091;14658,14768;14899,14959;15203,15305;15443,15523;16920,176
 35
 38451 46074,139581 1,174;23803,23844;36788,36829;37654,37704;4
 3527,43576;46070,46241;48983,49033;50478,50600;51027,51091;52994,53077;57393,575
 05;57935,57995;58220,58295;58875,59004;61628,61693;63025,63141;94952,96529;10782
 8,108024;108873,108948;112492,112584;113649,113672;114157,114195;122101,122299;1
 25280,126349;129041,129127;130223,130354;130732,130824;131594,131671;133720,1337
 91;134048,134216;135368,135436;135932,135964;139436,141250
 38451 46074,139581 1,174;23803,23844;36788,36829;37654,37704;4
 3527,43576;46070,46241;48983,49033;50478,50600;51027,51091;52994,53077;57393,575

05;57935,57995;58220,58295;58875,59004;61628,61693;63025,63141;94952,96529;10782
 8,108024;108873,108948;112492,112584;113649,113672;114157,114195;122101,122299;1
 25280,126349;129041,129127;130223,130354;130732,130824;131594,131671;133720,1337
 91;134048,134216;135368,135436;135932,135964;139436,141258
 38451 46074,144100 46073,46199;49001,49033;50478,50600;51027,5
 1091;52994,53077;57393,57505;57935,57995;58220,58295;58875,59004;61628,61693;630
 25,63141;94952,95098;144044,144237
 38452 45,26519 1,320;4592,4765;9744,9906;10975,11115;18153,182
 14;18304,18375;26393,27488
 38452 45,26519 30,320;4592,4765;9744,9906;10975,11115;18153,18
 214;18304,18375;26393,27488
 38453 26097,638779 1,73;26084,26262;72741,72809;86991,87052;99
 188,99275;121118,121207;306208,306306;307520,307649;357980,358102;389873,389971;
 427015,427092;494740,494874;574026,574131;638596,638953
 38453 26097,638779 1,73;26084,26262;72741,72809;86991,87052;99
 188,99275;121118,121207;306208,306306;307520,307649;357980,358102;389873,389971;
 427015,427092;494740,494874;574026,574131;638596,638958
 38454 192,53043 1,21;164,408;24293,24362;42747,42827;50475,506
 14;52795,52861;52967,53074;57639,57686;60423,60706
 38454 192,53043 1,22;166,408;24293,24362;42747,42827;50475,506
 14;52795,52861;52967,53074;57639,57686;60423,60710
 38455 2408,3346 1,139;2402,2595;2887,3040;3157,3708
 38455 2408,3346 1,139;482,572;2402,2595;2887,3040;3157,3708
 38455 2408,3346 2408,2560;2565,2595;2887,2957;2963,3040;3157,3
 708
 38455 2408,3346 37,139;2402,2595;2887,3040;3157,3708
 38456 3552,29680 1,15;3521,3723;4706,4915;7002,7120;8713,8791;
 9710,9805;11060,11173;11357,11458;11983,12080;12670,12777;13629,13859;16319,1641
 2;18638,18739;19984,20069;20228,20363;21067,21123;22209,22309;22530,22641;22761,
 22895;23179,23229;23709,23774;24240,24332;24813,24860;25548,25591;27301,27429;29
 143,29236;29525,30341;30351,30659
 38456 3552,29680 1,15;3521,3723;4706,4915;7002,7120;8713,8791;
 9710,9805;11060,11173;11357,11458;11983,12080;12670,12777;13629,13859;16319,1641
 2;18638,18739;19984,20069;20228,20363;21067,21123;22209,22309;22530,22641;22761,
 22895;23179,23229;23709,23774;24240,24332;24813,24860;25548,25591;27301,27429;29
 143,29236;29525,30659
 38456 3552,29680 3553,3723;4721,4915;7002,7120;8713,8791;9710,
 9805;11060,11221;11357,11458;11983,12080;12670,12777;13629,13859;16319,16412;186
 38,18739;19984,20069;20228,20363;22209,22309;22530,22641;22761,22895;23179,23229
 ;23709,23774;24240,24332;24813,24860;25548,25591;27301,27429;29143,29236;29525,3
 0288
 38457 114845,212541 114290,115770;207285,207377;212351,215301
 38457 142357,212541 141650,143276;207285,207377;212351,215301
 38457 171923,212541 171694,172848;207285,207377;212351,215301
 38457 171923,212541 171696,172848;207285,207377;212351,215301
 38457 525,894 1,985;1221,1314;1483,1891
 38457 245632,246046 245,458,247,573
 38457 280919,295386 280889,281003;283258,283420;288303,288423;
 288499,288573;289339,289391;290441,290586;290681,290778;293349,293448;294887,295
 010;295172,295669

38457 280919,295386 280891,281003;283258,283420;288303,288423;
288499,288573;289339,289391;290441,290586;290681,290778;293349,293448;294887,295
010;295172,295669

38458 386,60778 1,419;11973,12029;14634,14774;15425,15673;2108
6,21130;21214,21341;34287,34515;57659,57772;60197,62467

38459 14237,34072 1,287;14117,16033;21544,21732;21830,22061;22
202,22438;22794,23819;24041,24234;24443,24539;24640,24797;24987,25851;25939,2617
8;26273,26398;27020,27229;28183,29061;29185,29298;29470,29681;29776,29930;30123,
30253;30369,30652;30982,31120;31460,34523

38459 14237,34072 226,287;14117,16033;21544,21732;21830,22061;
22202,22438;22794,23819;24041,24234;24443,24539;24640,24797;24987,25851;25939,26
178;26273,26398;27020,27229;28183,29061;29185,29298;29470,29681;29776,29930;3012
3,30253;30369,30652;30982,31120;31460,34523

38460 5160,8339 1,134;5157,5297;5801,6010;6268,6386;6540,6657;
8258,8657

38461 1687,2623 13,110;1666,2952

38461 1687,2623 1,59;1666,2952

38462 90,9013 1,212;541,624;5289,5490;7948,8043;8744,10277

38462 90,9013 27,212;541,624;5289,5490;8744,10283

38462 90,9013 50,212;541,624;5289,5490;7948,8043;8744,10277

38463 7404,11503 1,73;7370,7530;8505,8703;9192,9325;9441,9581;
9830,9973;10234,10336;10405,10555;10860,11049;11339,11682

38463 7524,11503 1,73;7371,7530;8505,8703;9192,9325;9441,9581;
9830,9973;10234,10336;10405,10555;10860,11049;11339,11682

38464 41704,52737 1,122;1334,1490;41704,41877;45127,45244;4623
5,46353;46450,46507;46864,46914;47246,47338;47577,47705;48507,48613;52316,52472;
52558,53046

38465 1,19418 1,177;3696,3834;4277,4485;8404,8575;10584,10681;
10998,11159;19217,19877

38466 4942,16078 1,629;4939,5098;12941,13092;13714,13839;15616
,15709;15968,16774

38466 4942,16078 3,629;4939,5098;12941,13092;13714,13839;15616
,15709;15968,16774

38467 1632,4016 1139,1830;2388,2521;3836,5565

38467 126,4016 1,461;1743,1829;2390,2521;3836,5563

38468 285,32402 1,512;9938,10114;15035,15132;26174,26586;27213
,27377;31841,32308;32313,34058

38468 285,32368 1,512;9938,10114;15035,15132;26174,26586;27213
,27377;31841,34058

38469 27,3876 1,117;1449,1513;2443,2622;2896,3108;3421,3513;36
93,5356

38469 27,3876 24,117;1449,1513;2443,2622;2896,3108;3421,3513;3
693,5662

38470 358,6315 1,93;345,508;1117,1163;2136,2435;3159,3238;3326
,3383;3491,3598;3802,3873;4824,4872;4954,5024;5099,5191;5281,5377;5457,5518;5681
,5790;5867,5954;6052,6113;6197,6357

38471 5569,23198 1,234;5441,6696;15076,15218;17339,17613;22650
,24662

38471 5569,23198 3,234;5441,6696;15076,15218;17339,17613;22650
,24659

38472 20,101755 1,46;12764,12874;15982,16147;16639,16783;19938
,20094;22933,23076;23812,23893;25796,25903;31360,31466;34529,34794;38936,39017;4
2199,42339;44141,44266;46873,46956;48064,48198;48642,48739;49614,49700;50191,503
02;51089,51300;53443,53608;55777,55923;58010,58174;59893,59986;62971,63034;66343
,66523;70124,70217;70518,70581;70675,70755;71932,72112;74401,74494;75834,75897;7
6969,77137;80966,81053;82370,82468;83772,83926;87013,87102;89690,89840;90509,907
91;99173,99347;100199,100279;101602,102335;102342,103333

38472 20,101755 1,46;12764,12874;15982,16147;16639,16783;19938
,20094;22933,23076;23812,23897;25800,25903;31360,31466;34529,34794;38936,39017;4
2199,42339;44141,44266;46873,46956;48064,48198;48642,48739;49614,49700;50191,503
02;51089,51300;53443,53608;55777,55923;58010,58174;59893,59986;62971,63034;66343
,66523;70124,70217;70518,70581;70675,70755;71932,72112;74401,74494;75834,75897;7
6969,77137;80966,81053;82370,82468;83772,83926;87013,87102;89690,89840;90509,907
91;99173,99347;100199,100279;101602,103331

38473 20205,22083 1,110;18928,19016;20170,23282

38473 20205,22083 17,223;18928,19016;20170,23289

38474 82346,267090 1,103;64011,64105;82347,82458;90234,90328;9
9512,99655;113071,113309;168996,169130;174688,174738;180769,180983;196655,196951
;205392,206275;218206,218364;228216,228398;230297,230416;231592,231753;234505,23
4695;242679,242871;248168,248342;256825,256986;267008,267615

38475 1314,3297 1,49;1298,1437;3028,4619

38475 1314,3297 37,49;1298,1437;3028,3457

38476 388,8681 1,143;251,410;957,1215;5533,5603;7335,7404;7486
,7704;8561,8707

38477 113,17268 1,189;769,872;1929,2005;3381,3466;6723,6781;76
25,7769;9235,9342;9956,10052;12157,12290;14906,14987;15779,15910;17109,17762

38477 113,17268 14,189;769,872;1929,2005;3381,3466;6723,6781;7
625,7769;9235,9342;9956,10052;12157,12290;14906,14987;15779,15910;17109,17762

38477 506,17268 219,872;1929,2005;3381,3466;6723,6781;7625,776
9;9235,9342;9956,10052;12157,12290;14906,14987;15779,15910;17109,17762

38478 34,6817 1,115;948,1110;3781,3919;6703,7612

38479 18,2292 12,558

38479 18,2292 182,291

38480 114,23478 1,120;16061,16279;17406,17813;20144,20236;2047
9,20680;23288,24254

38480 16060,23478 1,120;16061,16279;17406,17813;20144,20236;20
479,20680;23288,24254

38480 2700,23478 1,120;2644,2709;16061,16279;17406,17813;20144
,20236;20479,20680;23288,24254

38481 470,2174 1,113;457,3264

38481 470,2174 1,113;457,3266

38481 503,2174 3,983,264

38482 117,2215 1,221;412,812;1761,1820;1899,2306

38483 5824,221956 1,46;5824,5903;9182,9362;11430,11816;25491,2
5657;29455,29572;31252,31390;36542,36638;37923,38058;48509,48612;57535,57642;599
83,60140;63653,63743;64426,64533;122934,123025;134190,134272;191371,191477;19272
4,192900;197972,198151;218136,218320;221666,222584

38484 637,10468 1,84;623,947;2693,2756;6638,6730;6950,7064;816
7,8290;8375,8525;8640,8829;8929,8974;9242,9365;10199,10244;10328,10749;10943,111
73

38484 637,10468 48,84;623,947;2693,2756;6638,6730;6950,7064;81
67,8290;8375,8525;8640,8829;8929,8974;9242,9365;10199,10244;10328,11173
38484 637,10468 9,84;623,947;2693,2756;6638,6730;6950,7064;816
7,8290;8375,8525;8640,8829;8929,8974;9242,9365;10199,10244;10328,11173
38485 343,1315 1,530;847,975;1200,1482
38485 356,1215 356,496;501,530;847,975;1200,1482
38486 2185,4282 1,2278;2363,2513;2724,2769;2852,2934;3030,3102
;3247,3332;3939,4073;4158,4679
38486 2185,4282 2091,2278;2363,2513;2724,2769;2852,2934;3030,3
102;3247,3332;3939,4073;4158,4684
38487 80903,94651 1,169;11297,11341;24882,25045;26117,26218;29
494,29744;49690,49859;50874,50990;80903,81071;86908,87217;89960,90519;93777,9383
0;94574,95567
38487 80,94651 1,169;11297,11341;24882,25045;26117,26218;29494
,29744;49690,49859;50874,50990;80903,81071;86908,87217;89960,90519;93777,93830;9
4574,95567
38487 80,103891 1,169;11297,11341;24882,25045;26117,26218;2949
4,29744;49690,49859;50874,50990;80903,81071;86908,87217;89960,90519;93777,93830;
97188,97304;100565,100942;103588,103856;103861,103890
38487 105311,105677 1,169;11297,11341;24882,25045;26117,26218;
29494,29744;49690,49859;50874,50990;80903,81071;86908,87217;89960,90519;93777,93
830;97188,97304;100565,100942;103588,107299
38487 80,103932 1,169;11297,11341;24882,25045;26117,26218;2949
4,29744;49690,49859;50874,50990;80903,81071;86908,87217;89960,90519;93777,93830;
97188,97304;100565,100942;103588,107299
38487 47382,103932 47321,47391;49690,49859;50874,50990;80903,8
1071;86908,87217;89960,90519;93777,93830;97188,97304;100565,100942;103588,107299
38487 88606,93881 88268,88676;89960,90519;93777,94177
38488 383,142270 1,443;67247,67328;78495,78563;89720,89832;925
93,92704;118496,118638;127168,127244;140678,140782;142138,142803
38489 282,2674 1,487;685,760;968,1197;2358,2522;2643,2866
38490 272,5392 1,97;242,302;723,883;966,1052;2909,2996;4490,46
06;4683,4849;5005,5187;5275,5410;5508,5912
38491 124,70497 1,430;34261,34414;36618,36774;38276,38423;3915
2,39299;43899,44132;47368,47462;56782,57019;57321,57512;62824,62933;70396,70633
38491 124,137575 1,430;34261,34414;36618,36774;38276,38423;391
52,39299;43899,44132;47368,47462;56782,57019;57321,57512;62824,62933;80737,80824
;83278,83405;83746,83889;85115,85217;94677,95435;102978,103123;103279,103390;103
881,104026;104992,105134;105942,106155;107794,107969;108176,108338;110985,111080
;111520,111636;122223,122397;124153,124600;125085,125231;126030,126179;126341,12
7953;133519,133695;135546,135746;136243,136418;137076,137240;137516,138009
38491 124,137575 1,430;34261,34414;36618,36774;38276,38423;391
52,39299;43899,44132;47368,47462;56782,57019;57321,57512;62824,62933;80737,80824
;83278,83405;83746,83889;85115,85217;94677,95435;102978,103123;103279,103390;103
881,104026;104992,105134;105942,106155;107794,107969;108176,108338;110985,111080
;111520,111636;122223,122397;124153,124600;125085,125231;126030,126179;126341,12
7953;133519,133695;135546,135746;136243,136418;137076,137240;137516,138011
38491 124,147394 1,430;34261,34414;36618,36774;38276,38423;391
52,39299;43899,44132;47368,47462;56782,57019;57321,57512;62824,62933;80737,80824
;83278,83405;83746,83889;85115,85217;94677,95435;102978,103123;103279,103390;103

881, 104026; 104992, 105134; 105942, 106155; 107794, 107969; 108176, 108338; 110985, 111080
; 111520, 111636; 122223, 122397; 124153, 124600; 125085, 125231; 126030, 126179; 126341, 12
7953; 133519, 133695; 135546, 135746; 136243, 136418; 137076, 137240; 140329, 140438; 14706
3, 147233; 147391, 147735

38491 124, 70497 1, 430; 34261, 34414; 36651, 36774; 38276, 38423; 3915
2, 39299; 43899, 44132; 47368, 47462; 56782, 57019; 57321, 57512; 62824, 62933; 70396, 70633

38491 57457, 122330 57414, 57512; 62824, 62933; 70396, 70452; 80737, 8
0824; 83278, 83405; 83746, 83889; 85163, 85217; 102978, 103123; 103279, 103390; 103881, 1040
26; 104992, 105134; 105942, 106155; 107794, 107969; 108176, 108338; 110985, 111080; 111520,
111636; 122223, 122330

38491 82, 122264 83, 430; 34261, 34414; 36618, 36774; 38276, 38423; 391
52, 39299; 43899, 44132; 47368, 47462; 56782, 57019; 57321, 57512; 62824, 62933; 70396, 70452
; 80737, 80824; 83278, 83405; 83746, 83889; 85115, 85217; 94677, 95435; 102978, 103123; 10327
9, 103390; 103881, 104026; 104992, 105134; 105942, 106155; 107794, 107969; 108176, 108338; 1
10985, 111080; 111520, 111636; 122223, 122397; 124153, 124299

38492 197, 508495 1, 339; 68314, 68442; 302843, 302919; 367355, 367429
; 372326, 372410; 372796, 372899; 441417, 441491; 453219, 453244; 460956, 461009; 469213, 46
9346; 471531, 471691; 472455, 472716; 480614, 480780; 484152, 484266; 485923, 486035; 50488
3, 504948; 508346, 510251

38492 197, 508495 198, 339; 68314, 68442; 302843, 302919; 367355, 3674
29; 372326, 372410; 372796, 372899; 441417, 441491; 453219, 453244; 460956, 461009; 469213,
469346; 471531, 471691; 472455, 472716; 480614, 480780; 484152, 484266; 485923, 486035; 504
883, 504948; 508346, 510254

38493 8461, 245635 1, 252; 8373, 8583; 115302, 115448; 245158, 247292

38493 39212, 245635 39212, 39340; 115302, 115448; 245158, 245634

38493 8461, 245635 8461, 8583; 115302, 115448; 245158, 247271

38494 855, 15596 1, 441; 850, 1097; 6576, 6778; 9416, 9588; 11502, 11562
; 14936, 15135; 15489, 16015

38495 5293, 11336 1, 89; 5131, 5526; 9245, 9270; 9928, 10075; 11255, 129
60

38495 5293, 11336 3241, 3529; 4898, 4986; 5131, 5526; 9245, 9270; 9928,
10075; 11255, 12960

38496 78, 3523 1, 206; 395, 460; 858, 945; 1250, 1283; 1654, 1724; 3305, 3
546

38496 78, 3523 14, 206; 395, 460; 858, 945; 1250, 1283; 1654, 1724; 3305,
3546

38497 78, 3523 1, 206; 395, 460; 858, 945; 1250, 1283; 1654, 1724; 3305, 3
546

38497 78, 3523 14, 206; 395, 460; 858, 945; 1250, 1283; 1654, 1724; 3305,
3546

38498 59, 7838 1, 90; 1490, 1530; 4114, 4241; 7748, 8658

38498 59, 7838 1, 90; 1490, 1530; 4114, 4241; 7748, 8660

38499 245, 55853 121, 377; 883, 1011; 2230, 2343; 5095, 5209; 21199, 212
97; 21428, 21482; 23624, 23734; 23854, 23986; 24081, 24123; 26876, 27177; 30380, 30598; 33235
, 33433; 37130, 37298; 51604, 51754; 55779, 55888; 64852, 65366

38499 5199, 33338 131, 377; 883, 1011; 2230, 2343; 5095, 5209; 21199, 21
297; 21428, 21482; 23624, 23734; 23854, 23986; 24081, 24123; 26876, 27177; 30380, 30598; 3323
5, 33315; 33318, 33421; 37130, 37298; 64852, 66391

38499 5199, 33338 1, 377; 883, 1011; 2230, 2343; 5095, 5209; 21199, 2129
7; 21428, 21482; 23624, 23734; 23854, 23986; 24081, 24123; 26876, 27177; 30380, 30598; 33235,

33315;33318,33421;37130,37298;51604,51754;64852,66391

38500 0,2132949 1,16;1890804,1890892;1890897,1890964;2132719,2
132923;2132926,2132949

38500 1292999,1319451 1287585,1287761;1291012,1291123;1292960,
1293180;1294753,1294922;1302626,1302714;1309560,1309718;1314848,1314907;1318011,
1318095;1319320,1319634

38500 1292079,1319451 1287633,1287761;1291013,1291123;1291940,
1292117;1292960,1293180;1294753,1294922;1302626,1302714;1305079,1305153;1309560,
1309718;1314848,1314907;1318011,1318095;1319320,1319515

38500 1292079,1319451 1289846,1289859;1291012,1291123;1291940,
1292117;1292960,1293180;1294753,1294922;1302626,1302714;1305079,1305153;1309560,
1309718;1314848,1314907;1318011,1318095;1319320,1320161

38500 1292079,1319451 1289846,1289859;1291012,1291123;1291940,
1292117;1292960,1293180;1294753,1294922;1302626,1302714;1305079,1305153;1309560,
1309718;1314848,1314907;1318011,1318095;1319320,1320165

38500 1292999,1319451 1289846,1289859;1291012,1291123;1291940,
1292117;1292960,1293180;1294753,1294922;1302626,1302714;1314848,1314907;1318011,
1318095;1319320,1320161

38500 1292999,1319451 1291063,1291123;1292960,1293180;1294753,
1294922;1302626,1302714;1318011,1318095;1319320,1320161

38501 1061907,1070861 1061695,1061764;1061889,1062017;1062132,
1062268;1062436,1062542;1068900,1069112;1070823,1071091

38501 1061907,1070861 1061699,1061764;1061889,1062017;1062132,
1062268;1062436,1062542;1068900,1069112;1070823,1071098

38501 1,1355973 1,141;1231450,1231527;1236777,1236864;1253196,
1253362;1254020,1254148;1258716,1258778;1258862,1258912;1260045,1260075;1260588,
1260703;1261391,1261517;1263440,1263543;1265479,1265547;1265645,1265688;1266711,
1266793;1269980,1270018;1273781,1273905;1275022,1275138;1281539,1281716;1282948,
1283072;1285506,1285612;1287980,1288172;1289850,1290005;1293159,1293290;1296380,
1296543;1298860,1298974;1301378,1301483;1302957,1303102;1306087,1306260;1307199,
1307307;1309047,1309124;1311089,1311270;1311364,1311522;1311640,1311738;1312966,
1313127;1315153,1315318;1319003,1319079;1324593,1324604;1325022,1325120;1326889,
1327014;1329022,1329177;1329623,1329714;1333101,1333271;1334024,1334172;1336970,
1337109;1339577,1339665;1339762,1339857;1342922,1343063;1346122,1346221;1349725,
1349915;1352292,1352401;1352768,1352915;1355934,1356505

38502 3,43264 1,73;10029,10307;31162,31943;33021,33095;39225,3
9381;39925,39986;42218,42397;43052,43586

38502 35573,51259 35574,35586;45175,45202;45329,45384;46754,46
898;47056,47215;47320,47365;47751,47867;47952,48070;48249,48347;48460,48627;5076
9,50969;51053,51703

38502 3,43264 4,73;10029,10307;31162,31758;36184,36230;39240,3
9381;39925,39986;42218,42397;43052,43586

38502 3,43264 4,73;10029,10307;31162,31943;33021,33095;39225,3
9381;39925,39986;42218,42397;43052,43593

38503 10133,10810 10134,10333;10396,10810

38503 1825,15909 1731,1957;2639,2790;6081,6150;6277,6422;6581,
6659;10558,10634;10856,11001;12811,12928;14993,15092;15790,19285

38503 1864,15909 1731,1957;2639,2790;6081,6150;6277,6422;6581,
6659;10558,10634;10856,11001;12811,12928;14993,15092;15790,19285

38503 1864,15066 1731,1957;2639,2790;6081,6150;6277,6422;6581,

6659;10558,10634;10856,11001;14993,15555

38503 1864,15170 1,787;1863,1957;2639,2790;6081,6150;6277,6422
;6581,6659;10558,10634;10856,11001;12811,12928;14993,15548

38503 1864,15100 390,787;1863,1957;2639,2790;6081,6150;6277,64
22;6581,6659;10558,10634;10856,10940;10945,11001;14993,15550

38503 1864,15170 390,787;1863,1957;2639,2790;6081,6150;6277,64
22;6581,6659;10558,10634;10856,11001;12811,12928;14993,15555

38504 216,13153 1,318;2778,2834;8633,8706;9434,9624;12777,1471
2

38505 482,8495 1,20;181,932;3952,4023;4438,4564;6465,6612;8417
,8800

38506 62,8994 1,407;2596,2728;3452,3607;7118,10178

38507 26,3972 1,264;1663,1859;2396,2468;3896,5032

38508 68,167195 1,365;13669,13770;14707,14823;150781,150810;16
5719,165835;166299,166420;166502,166532;166658,166731;167026,167107;167190,16722
4;167374,167503

38508 68,167195 16,365;13669,13770;14707,14823;150781,150810;1
65719,165835;166299,166420;166502,166532;166658,166731;167026,167107;167190,1672
24;167375,167503

38509 2377,64675 1,68;2341,2500;25120,25219;61428,61694;64494,
67562

38509 2377,64675 1,68;2341,2500;25120,25219;61428,61694;64494,
67567

38510 2093,8311 1,688;982,1014;1450,1512;1757,1843;1949,1979;2
067,2164;2754,2822;2963,3030;3193,3247;3551,3643;8293,8310

38510 5918,8213 5634,5784;5906,6115;6257,6333;7608,7677;7768,7
862;8026,8256

38510 5918,8213 5637,5784;5906,6115;6257,6333;7608,7677;7768,7
862;8026,8262

38511 101,4353 1,292;799,1080;1471,1663;1780,1916;1994,2165;24
56,2628;2795,2932;3009,3140;3323,3377;3501,3653;3944,4131;4224,4475

38511 682,4366 378,1080;1471,1663;1780,1916;1994,2165;2456,262
8;2795,2932;3009,3140;3323,3377;3501,3653;3944,4032;4037,4108;4113,4131;4224,425
5;4258,4365

38511 682,4366 378,1080;1471,1663;1780,1916;1994,2165;2456,262
8;2795,2932;3009,3140;3323,3377;3501,3653;3944,4131;4224,4475

38512 294,138112 108,434;3338,3447;6029,6149;8509,8649;15162,1
5242;45845,45939;81586,81718;96098,96196;96306,96343;105468,105534;108768,108905
;131023,131120;133664,133690;137967,138587

38512 294,138112 1,434;3338,3447;6029,6149;8509,8649;15162,152
42;45845,45939;81586,81718;96098,96196;96306,96343;105468,105534;108768,108905;1
31023,131120;133664,133690;137967,138582

38513 12,108743 1,100;31786,31918;42260,42323;43253,43315;4712
6,47290;57580,57671;62602,62790;108569,108958

38514 100,8687 1,221;3517,3589;7955,8062;8597,10751;10810,1082
0

38514 100,8687 21,221;3517,3589;5356,5481;7955,8062;8597,10882

38514 100,8687 43,221;3517,3589;5356,5481;7955,8062;8597,10224
;10235,10797

38515 48353,56929 1,1061;1594,1661;18193,18259;34822,34885;482

81,48362;50581,50707;55674,59246
38515 48275,56929 13,1061;1593,1661;18192,18259;34821,34885;48
276,48362;50581,50707;55674,57055
38515 42734,56929 94,288;832,1061;1593,1661;34821,34885;42735,
42769;48281,48362;50581,50707;55674,57055
38516 11015,11420 1,414;4103,4284;9356,9466;10950,12167
38516 11015,11420 9304,9466;10950,12456
38517 10119,12069 11,221;10067,13628
38517 10119,12069 1,221;8298,8491;10067,13628
38517 10119,12069 70,221;10067,14637
38518 2095,21316 1,260;1989,2295;4542,4675;7026,7316;7896,8194
;10526,10696;11149,11304;11310,11312;11879,11974;12744,12814;13244,13409;16211,1
6277;16393,16727;18001,18125;19317,19396;21216,21424
38518 2095,21316 1,260;1989,2295;4542,4675;7026,7316;7896,8194
;10526,10696;11149,11304;11876,11974;12744,12814;13244,13409;16211,16277;16393,1
6727;18001,18125;19317,19396;21216,21428
38519 2985,3942 1,234;2980,4351
38519 2985,3942 156,234;2724,2895;2980,4220
38520 304,70866 108,386;1423,1531;40728,40983;46152,46276;5029
4,50430;59354,59508;65585,65668;68155,68322;70735,71330
38520 304,70866 1,386;1423,1531;40728,40983;46152,46276;50294,
50430;59354,59508;65585,65668;68155,68322;70735,71325
38521 598,33316 1,1570;13282,14170;27698,27796;32263,32367;325
70,32742;33011,34320
38522 202,26547 104,334;5312,5593;8948,9041;17531,17646;18192,
18314;22299,22463;26446,26936
38522 202,26547 1,334;5312,5593;8948,9041;17531,17646;18192,18
314;22299,22463;26446,27040
38523 1,53708 1,100;402,469;8251,8425;10127,10307;10470,10633;
10763,10946;13567,13628;13788,13979;14219,14318;23559,23671;24788,25132;25288,25
422;30851,30980;31156,31301;32418,32530;32906,32983;38650,39084;42510,42642;4282
1,42995;44174,44351;52419,52615;52920,53052;53225,53297;53374,53479;53704,54044
38523 76,53708 36,100;402,469;8251,8425;10127,10307;10470,1063
3;10763,10946;13567,13628;13788,13979;14219,14318;23559,23671;24788,25132;25288,
25422;30851,30980;31156,31301;32418,32530;32906,32983;42510,42642;42821,42995;44
174,44351;52419,52615;52920,53052;53225,53297;53374,53479;53704,54044
38523 76,53708 5,100;402,469;8251,8425;10127,10307;10470,10633
;10763,10946;13567,13628;13788,13979;14219,14318;23559,23671;24788,25132;25288,2
5422;30851,30980;31156,31301;32418,32530;32906,32983;38650,39084;42510,42642;428
21,42995;44174,44351;52419,52615;52920,53052;53225,53297;53374,53479;53704,54044
38524 57,172491 1,323;35894,36071;163108,163178;168073,168168;
171248,171608;172375,172875
38525 792,112560 1,865;15046,15223;33695,33876;39980,40210;412
87,41442;43415,43584;45393,45548;58021,58165;60705,61054;63248,63392;67227,67343
;70337,70477;81176,81438;82976,83072;84285,84320;109737,109787;112256,115632
38525 792,112560 2,865;15046,15223;33695,33876;39980,40210;412
87,41442;43415,43584;45393,45548;58021,58165;60705,61054;63248,63392;67227,67343
;70337,70477;81176,81438;82976,83072;84285,84305;109737,109787;112256,115634
38525 792,112560 2,865;15046,15223;33695,33876;39980,40210;412
87,41442;43415,43584;45393,45548;58021,58165;60705,61054;63248,63392;67227,67343

;70337,70477;81176,81438;82976,83072;84285,84305;112256,115634
38525 792,94028 2,865;15046,15223;33695,33876;39980,40210;4128
7,41442;43415,43584;45393,45548;58021,58165;60705,61054;63248,63392;67227,67343;
70337,70477;81176,81438;82976,83072;84285,84305;93748,94657
38525 792,112560 2,865;15046,15223;33695,33876;39980,40210;412
87,41442;43415,43584;45393,45548;58021,58165;60705,61054;63248,63392;67227,67343
;70337,70477;81176,81438;82976,83072;84285,84320;109737,109787;112256,115634
38525 792,94028 2,865;15046,15223;33695,33876;39980,40210;4128
7,41442;43415,43584;45393,45548;58021,58165;60705,61054;63248,63392;67227,67343;
70337,70477;81176,81438;82976,83072;84285,84320;93748,94657
38525 792,112560 2,865;15046,15223;33695,33876;39980,40210;412
87,41442;43415,43584;45393,45548;58021,58165;60705,61054;63248,63392;67227,67343
;70337,70477;81176,81438;82976,83072;90796,90816;109737,109787;112256,115632
38525 792,112560 2,865;15046,15223;33695,33876;39980,40210;412
87,41442;43415,43584;45393,45548;58021,58165;60705,61054;63248,63392;67227,67343
;70337,70477;81176,81438;82976,83072;90796,90816;112256,115632
38525 792,61081 2,865;15046,15223;33695,33876;39980,40210;4128
7,41442;43415,43584;45393,45548;58021,58165;60705,61199
38526 20983,22192 1,95;890,978;15808,15877;20808,23245
38526 20983,22192 2,95;890,978;15808,15877;20808,23245
38527 189,6009 1,386;472,600;2127,2240;2352,2466;2809,2907;341
9,3473;3547,3657;3731,3863;3946,3988;4131,4432;4540,4752;4858,5056;5207,5393;568
0,5845;5919,7687
38528 2718,7947 1,195;2661,3143;4882,4977;4979,4981;5816,6070;
6536,6558;7095,7195;7396,9547
38528 2718,7947 15,195;2661,3143;4882,4977;5810,6070;6536,6558
;7095,7195;7396,9550
38529 195,42733 1,340;15835,15933;17641,17760;22915,23013;2462
9,25672;42702,42908
38529 195,37484 193,340;15835,15933;17641,17760;22915,23013;24
629,25672;37033,39153
38529 333,37484 193,340;15835,15933;17641,17760;22915,23013;24
629,25672;37033,39153
38529 333,42733 193,340;15835,15933;17641,17760;22915,23013;24
629,25672;42702,42902
38530 138,11580 109,296;2311,2353;2973,3149;4148,4260;9855,992
8;11417,12028
38530 138,11798 1,296;2311,2353;2973,3149;4148,4260;7778,7862;
9855,9928;11417,12030
38531 96879,97552 1,69;4849,4980;12945,13206;14509,14859;20949
,21871;22513,22687;40310,40490;52364,52608;54526,58875;74577,74884;82236,82321;8
3220,83458;87586,87803;93410,93671;95966,97428;97433,97833
38531 0,97833 1,69;4849,4980;12945,13206;14509,14859;20949,218
71;22513,22687;40310,40490;52364,52608;54526,58875;74577,74884;82236,82321;83220
,83458;87586,87803;93410,93671;95966,97833
38531 97461,97833 58780,58875;69628,69732;74577,74884;82236,82
321;83220,83399;85806,85930;87586,87803;93410,93671;95969,97853
38532 91,12369 1,203;5562,5624;12329,13589
38532 91,12593 1,203;5562,5624;9545,9743;12329,13589
38533 45,6452 1,104;2827,2907;4140,4337;5564,5624;6213,6294;64

42,8408

38534	59227,60820	1,139;23507,23700;59203,61186
38534	59227,60820	530,728;23507,23700;59203,61186
38534	59227,60820	5,885,061,186
38535	75,99850	1,159;9327,9374;40026,40634;51056,51150;67919,6
		8147;69182,69277;76780,76924;85598,85742;96153,96272;99811,99897;111234,112612
38535	75,99850	44,159;9327,9374;40026,40634;51056,51150;67919,
		68147;69182,69277;76780,76924;85598,85742;96153,96272;99811,99897;104317,104455;
		105105,105277;111234,112620
38536	177,32146	1,321;18167,18359;23478,23561;24637,24777;2962
		5,29666;32088,32161;34528,35026
38536	177,32146	1,321;18167,18359;23478,23561;24637,24777;2962
		5,29666;32088,32161;34528,35049
38537	23,6952	1,69;1293,1376;2953,3011;3733,3843;6857,6955;804
		9,8124
38537	23,6952	1,69;1293,1376;2953,3011;3733,3843;6857,6955;804
		9,8130
38538	113259,151369	1,78;76361,77664;78883,78985;88780,88920;9
		1587,91659;110662,111533;113146,113325;119763,119876;128423,128548;132357,132526
		;137639,137731;138327,139395;140719,140789;151285,151848
38538	78928,151290	1,78;76361,77664;78883,78985;91587,91659;11
		0662,111533;113146,113325;119763,119876;128423,128548;132357,132526;137639,13773
		1;138327,139395;151285,151848
38538	78928,151290	32,78;78883,78985;91587,91659;110662,111533
		;113146,113325;119763,119876;128423,128548;132357,132526;137639,137731;138327,13
		9395;151285,151848
38539	14035,33828	1,451;13986,14851;28840,29033;30826,31096;33
		628,35417
38540	643,4429	1,774;1000,1035;1393,1505;1621,1822;1934,2019;2
		163,2238;2771,2948;3026,3068;3191,3362;4196,4240;4318,4927
38540	643,4429	558,774;1000,1035;1393,1505;1621,1822;1934,2019
		;2163,2238;2771,2948;3026,3068;3191,3362;4196,4240;4318,4920
38541	24260,29982	1,112;23979,24092;24225,24371;27731,28239;28
		913,29209;29895,29995;31172,33411
38541	24260,29982	1,112;23979,24371;27731,28239;28913,29209;29
		895,29995;31172,33411
38542	5442,22154	1,780;5433,5613;7639,7684;10829,10888;11261,1
		1337;13603,13779;16100,16201;18218,18281;20029,20141;21674,21800;22072,22825
38542	5442,16341	55,780;5433,5613;7639,7684;10829,10888;11261,
		11337;13603,13779;16258,16376
38543	14,11360	1,120;862,936;3843,3924;4485,4576;5046,5101;555
		4,5631;8611,8662;9277,9315;11312,11617
38543	14,11360	14,28;31,120;862,936;3843,3924;4485,4576;5046,5
		101;5554,5631;8611,8662;9277,9315;11312,11359
38544	59,8773	1,435;2899,3106;4263,5090;6729,6897;8516,8798;10
		432,10990
38544	9041,10590	9016,9614;10432,10990
38545	1,101746	1,12;18969,19143;74805,74993;88351,88577;90215,
		90467;92346,92459;92781,92885;93721,93857;96679,96877;99100,99194;99816,99896;10
		1635,103133

38545 18184, 101746 17867, 18198; 18969, 19143; 74805, 74993; 88351, 8
8577; 90215, 90467; 92346, 92459; 92781, 92885; 93721, 93857; 96679, 96877; 99100, 99194; 998
16, 99896; 101635, 102061; 102086, 102501

38546 27, 31582 1, 100; 8888, 9089; 10884, 11061; 11582, 11690; 15131, 1
5232; 18126, 18215; 20133, 20300; 21677, 21766; 27238, 27346; 30815, 30979; 31498, 31918

38546 27, 31582 12, 100; 8888, 9089; 10884, 11061; 11582, 11690; 15131,
15232; 18126, 18215; 20133, 20300; 21677, 21766; 27238, 27346; 30815, 30979; 31498, 31918

38547 235, 14568 1, 792; 4965, 5254; 7950, 8097; 9641, 9751; 10496, 1066
4; 12148, 12306; 13761, 13916; 14413, 14698

38547 235, 14568 1, 792; 4965, 5254; 7950, 8097; 9641, 9751; 10496, 1066
4; 12148, 12306; 13761, 13916; 14413, 14700

38548 11059, 29127 1, 106; 11018, 11157; 12822, 12934; 14535, 14602; 19
439, 19531; 24160, 24217; 29081, 31162; 40647, 40730; 47142, 47458

38548 11059, 29127 11, 106; 11018, 11157; 12822, 12934; 14535, 14602; 1
9439, 19531; 24160, 24217; 29081, 30001

38549 864, 2136 1, 82; 828, 4815

38549 864, 2136 3, 82; 828, 4815

38550 5510, 10493 1, 72; 675, 771; 5501, 5634; 6427, 6524; 8769, 8918; 10
272, 10623

38550 723, 17221 33, 72; 675, 896; 5501, 5634; 6427, 6524; 8769, 8918; 10
272, 10413; 12189, 12353; 12995, 13122; 13270, 13383; 14621, 14701; 15428, 15568; 15724, 1583
3; 17119, 19317

38550 723, 17221 672, 896; 5501, 5634; 6427, 6524; 8769, 8918; 10272, 10
413; 12189, 12353; 12995, 13122; 13270, 13383; 14621, 14701; 15428, 15568; 15724, 15833; 1711
9, 19317

38551 168, 18116 1, 658; 5978, 6086; 11923, 12331; 18030, 18532

38551 168, 17216 168, 658; 5978, 6086; 11923, 12331; 17142, 17224; 1803
0, 18532

38551 168, 18116 34, 658; 5978, 6086; 11923, 12331; 18030, 18530

38552 3351, 69394 1, 61; 3145, 3433; 28887, 28971; 34628, 34717; 36827,
36915; 38691, 38773; 39436, 39500; 43514, 43705; 44300, 44435; 46435, 46520; 48247, 48331; 51
744, 51814; 61107, 61175; 61302, 61500; 69197, 69579

38552 3351, 69394 1, 61; 3145, 3433; 28887, 28971; 34628, 34717; 36827,
36915; 38691, 38773; 39436, 39500; 43520, 43705; 44300, 44435; 46435, 46520; 48247, 48331; 51
744, 51814; 61107, 61175; 61302, 61500; 69197, 69579

38553 99, 100315 1, 192; 28257, 28284; 29556, 29604; 30630, 30673; 3622
2, 36282; 48970, 49150; 64562, 64666; 68661, 68720; 71249, 71370; 81575, 81694; 89503, 89546;
93222, 93282; 95567, 95624; 97519, 97622; 100183, 101036

38553 99, 100315 1, 192; 28257, 28284; 29556, 29604; 30630, 30673; 3622
2, 36282; 48970, 49150; 64562, 64666; 68661, 68720; 71249, 71370; 81575, 81694; 89503, 89546;
93222, 93282; 95567, 95628; 97523, 97622; 100183, 101036

38554 2848, 86836 1, 237; 1228, 1264; 2792, 2987; 50629, 50735; 56966, 5
7081; 57950, 58062; 62963, 63271; 75416, 75661; 77929, 78051; 79004, 79152; 81797, 81915; 834
03, 83592; 84887, 85014; 86767, 87759

38554 2848, 86836 1, 237; 1228, 1264; 2792, 2987; 50629, 50735; 56966, 5
7081; 57950, 58062; 62963, 63271; 75416, 75661; 77929, 78051; 79004, 79152; 81797, 81915; 834
03, 83592; 84887, 85014; 86767, 87768

38554 2848, 78642 2496, 2987; 50629, 50735; 56966, 57081; 57950, 58062
; 62963, 63271; 75416, 75661; 77929, 78051; 78485, 78711; 79004, 79152; 81797, 81915; 83406, 8
3592; 84887, 85014; 86767, 87190

38554 79026,83512 57049,57081;57950,58062;75416,75661;77929,78
 051;79004,79152;81797,81868;81873,81915;83403,83592;84887,85014;86767,87759
 38554 809,86844 732,850;1228,1264;2792,2987;50629,50735;56966,
 57081;57950,58062;62963,63271;75416,75661;77929,78051;79004,79152;81797,81915;83
 403,83592;84887,85014;86767,86806;86812,87759
 38554 809,86836 732,850;1228,1264;2792,2987;50629,50735;56966,
 57081;57950,58062;62963,63271;75416,75661;77929,78051;79004,79152;81797,81915;83
 403,83592;84887,85014;86767,87759
 38554 809,86836 735,850;1228,1264;2792,2987;50629,50735;56966,
 57081;57950,58062;62963,63271;75416,75661;77929,78051;79004,79152;81797,81915;83
 403,83592;84887,85014;86767,87768
 38554 809,86836 735,850;1228,1264;2792,2987;50629,50735;56966,
 57081;57950,58062;75416,75661;77929,78051;79004,79152;81797,81915;83403,83592;84
 887,85014;86767,87759
 38554 809,86836 735,850;1228,1264;2792,2987;50629,50735;56966,
 57081;57950,58062;75416,75661;77929,78051;79004,79152;81797,81915;83403,83592;84
 887,85014;86767,87764
 38554 2840,58026 770,850;1228,1264;1464,1576;2792,2987;50629,5
 0735;56966,57081;57950,58062;62963,63271;75416,75661;77929,77940
 38555 129,16083 1,249;15700,17491
 38556 111,13552 1,798;1136,1345;2061,2219;10656,10780;11360,11
 554;11637,11727;12376,12574;12846,12943;13151,13281;13375,13729
 38556 111,13552 88,798;1136,1345;2061,2219;10656,10780;11360,1
 1554;11637,11727;12376,12574;12846,12943;13151,13281;13375,13727
 38557 126,53661 1,188;16411,16645;32769,33094;35419,35565;3878
 9,38884;42547,42800;43039,43163;46016,46303;49274,49571;53306,55393
 38557 126,53661 4,188;16411,16645;32769,33094;35419,35565;3878
 9,38884;42547,42800;43039,43163;46016,46303;49274,49571;53306,55399
 38558 35156,36152 1,422;26577,26765;32361,32485;34758,36788
 38559 213,1327 1,33;212,306;1025,1159;1238,1371
 38559 213,1327 62,306;1025,1159;1238,1371
 38560 484,2230 13,281
 38560 484,2230 293,281
 38561 123682,385412 1,24;95124,95219;96726,96787;120884,120948
 ;123659,123860;186724,186891;190408,190581;324928,325281;379620,379690;380390,38
 0481;385328,386447
 38561 123682,385412 37970,38098;96726,96787;120884,120948;1236
 59,123860;186724,186891;190408,190581;324928,325281;361701,361810;375124,375268;
 379620,379690;380390,380481;385328,386447
 38561 123682,385412 95122,95219;96726,96787;120884,120948;1236
 59,123860;186724,186891;190408,190581;324928,325281;379620,379690;380390,380481;
 385328,386447
 38561 324965,385412 96715,96787;120884,120948;123659,123860;18
 6724,186891;190408,190581;324928,325281;361701,361810;375124,375268;379620,37969
 0;380390,380481;385328,386709
 38562 1202,4738 1090,2873;4103,4321;4447,4573;4686,5301
 38562 2609,4738 1,224;1799,2873;4103,4321;4447,4573;4686,5301
 38562 1202,4738 815,2873;4103,4321;4447,4573;4686,5301
 38563 64192,64372 1,105;44033,44105;64112,64906
 38563 64192,64372 33,105;44033,44105;64112,64909

38564 110,8698 1,126;1754,1834;2120,2234;5513,5575;5656,5810;8
 400,8495;8583,8713;18305,18672
 38564 1632,8698 780,1834;2120,2234;5513,5575;5656,5810;8400,84
 95;8583,8713;18305,18672
 38564 1632,8698 782,1834;2120,2234;5513,5575;5656,5810;8400,84
 95;8583,8713;18305,18672
 38565 76,4818 1,267;3398,3498;3579,3666;3776,3955;4055,4154;42
 43,4412;4497,6118
 38565 76,4818 17,267;3398,3498;3579,3666;3776,3955;4055,4154;4
 243,4412;4497,6149
 38565 76,4818 32,267;3398,3498;3579,3666;3776,3955;4055,4154;4
 243,4412;4497,4854;6433,7508
 38566 2833,49269 1,182;2770,2949;4367,4469;5000,5116;8477,8573
 ;10730,10806;11089,11293;11722,11873;17586,17659;19433,19556;20055,20153;20364,2
 0443;20752,20859;21120,21234;21539,21644;21818,21921;22513,22605;22730,22819;230
 46,23246;23367,23437;23541,23628;24063,24143;24226,24318;24449,24617;24731,24867
 ;26298,26399;26904,27052;27282,27410;27504,27661;33288,33462;33715,33816;34072,3
 4153;36012,36083;49264,49269
 38566 2833,36292 1,182;2770,2949;4367,4469;5000,5116;8477,8573
 ;10730,10806;11089,11293;11722,11873;17586,17659;19433,19556;20055,20153;20364,2
 0443;20752,20859;21120,21234;21539,21644;21818,21921;22513,22605;22730,22819;230
 46,23246;23367,23437;23541,23628;24063,24143;24226,24318;24449,24617;24731,24867
 ;26298,26399;26904,27052;27282,27411;27505,27661;33288,33463;33716,33816;34072,3
 4153;36012,36083;36284,36657
 38566 11214,49269 208,282;2770,2949;4367,4469;5000,5116;8477,8
 573;10730,10806;11089,11293;11722,11873;17586,17659;19433,19556;20055,20153;2036
 4,20443;20752,20859;21120,21234;21539,21644;21818,21921;22513,22605;22730,22819;
 23046,23246;23367,23437;23541,23628;24063,24143;27604,27661;33288,33462;33715,33
 816;34072,34153;36012,36083;49264,49269
 38566 42187,43528 27634,27661;33288,33462;33712,33816;34072,34
 153;36012,36083;40894,42305;42391,42741;42824,42950;43037,43097;43205,43765
 38566 42187,43528 42145,42305;42391,42741;42824,42950;43037,43
 097;43205,43759
 38567 1499,8667 1,48;1311,1623;1789,2092;7635,9349
 38568 29,3415 1,93;360,409;500,556;634,779;1485,1579;1684,1739
 ;1850,1920;2035,2134;2410,2523;2765,2827;3188,3577
 38569 5150,10791 1,169;5069,5254;7684,7861;9268,14224
 38569 5150,10791 96,169;5069,5254;7684,7861;9268,11078
 38570 1,2773 1,53;2640,2811;4773,4940;6921,7357
 38570 1,7085 1,53;3727,3788;4773,4940;6921,7357
 38570 3,7085 1,53;700,991;4773,4940;6921,7084
 38570 3677,7085 3677,3788;4773,4940;6921,7357
 38570 3677,4777 3677,3882;4773,4940;6921,7357
 38571 108,29462 1,135;1297,1377;5592,5735;10069,10201;13869,14
 003;20105,20223;22387,22516;24472,24609;25021,25084;26118,26255;26802,26959;2922
 1,29570
 38571 108,29462 1,135;1297,1377;5592,5735;10069,10201;13869,14
 003;20105,20223;22387,22516;25021,25084;26118,26255;26802,26959;29221,29570
 38571 108,29462 1,135;1297,1377;5595,5735;10069,10201;13869,14
 003;20105,20223;22387,22516;25021,25084;26118,26255;26802,26959;29221,29570

38571 108,29462 16,135;1297,1377;10069,10201;13869,14003;20105
 ,20223;22387,22516;25021,25084;26118,26255;26802,26959;29221,29560
 38572 114,48723 1,379;2192,2315;2940,3016;4980,5201;6377,6468;
 6700,6830;9904,10049;11191,11267;12002,12105;13459,13518;15254,15347;18686,18875
 ;22198,22352;28960,29073;29914,30024;32011,32181;35857,36000;37010,37176;42771,4
 2837;43760,43830;47077,47260;47340,47442;48518,49006
 38572 114,48723 1,379;2192,2315;2940,3016;4980,5201;6377,6468;
 6700,6830;9904,10049;11191,11267;12002,12105;13459,13518;15254,15347;18686,18875
 ;22198,22352;28960,29073;29914,30024;32011,32181;35857,36000;37010,37176;42771,4
 2837;43760,43830;47077,47260;47340,47442;48518,49008
 38573 813,82432 1,130;560,1031;29645,29807;37870,38039;40364,4
 0486;40994,41158;77396,77603;77801,77985;82282,83803
 38573 813,82432 336,1031;29645,29807;37870,38039;40364,40486;4
 0994,41158;77396,77603;77801,77985;82282,83811
 38574 9382,49072 1,122;9269,9424;18265,18336;30968,31046;42487
 ,42558;45232,45285;48398,48493;48681,49409
 38574 9294,49072 1,122;9269,9424;18265,18336;42487,42558;45232
 ,45285;48398,48493;48681,49409
 38574 9382,49072 3,122;9269,9424;18265,18336;30968,31046;42487
 ,42558;45232,45285;48398,48493;48681,49403
 38575 2,128857 1,46;1352,1447;22225,22371;25318,25509;34772,35
 003;76964,77077;92060,92147;93890,93977;102411,102557;104620,105265;120548,12064
 5;121190,121307;124376,124436;128694,130108
 38575 34772,128857 27,46;1352,1447;22225,22371;25318,25509;347
 72,35003;76964,77077;92060,92147;93890,93977;102411,102557;104620,104970;104975,
 105269;120548,120645;121190,121307;124376,124436;128694,129589
 38575 1397,128857 7,46;1352,1447;22225,22371;25318,25509;34772
 ,35003;76964,77077;92060,92147;93890,93977;102411,102557;104620,105265;120548,12
 0645;121190,121307;124376,124436;128694,130108
 38576 72149,334868 1,142;72145,72250;130095,130184;200424,2005
 80;222894,223121;316564,316660;334852,334867
 38576 72149,365603 1,142;72145,72250;130095,130184;200424,2005
 80;222894,223121;316564,316660;365587,367231
 38576 72149,334868 15,142;72145,72250;130095,130184;200424,200
 580;316564,316660;334852,334867
 38577 23,18815 1,56;7721,7853;9610,9701;10928,11119;13050,1319
 7;13433,13615;13869,14097;18734,19691
 38578 33,19853 1,99;3289,3755;5425,5577;6616,6707;7546,7704;81
 16,8282;10561,10739;12385,12555;13531,13722;14422,14481;15281,15361;16199,16438;
 17597,17698;18476,18724;19685,21679
 38578 33,3570 1,99;3325,3569
 38579 63,5069 1,536;4787,5586
 38579 63,4742 1,629;2374,2396;2604,2695;4161,4453;4652,4741
 38579 63,4742 1,629;2374,2396;2604,2695;4161,4453;4652,5586
 38579 63,4742 1,629;2374,2396;2604,2695;4161,5585
 38579 63,4742 1,629;2374,2396;2604,2695;4161,5586
 38579 63,5086 63,518;4743,4760;4787,5020;5026,5085
 38580 226,2201 1,354;480,560;650,698;838,980;1198,1356;1442,15
 20;1594,1721;1805,1987;2069,2453
 38580 226,2201 1,354;480,560;650,698;838,980;1198,1356;1442,15

20;1594,1721;1805,2200
 38580 226,2201 1,354;480,560;650,698;838,980;1198,1356;1442,15
 20;1594,1721;1805,2453
 38580 226,2201 39,354;480,560;650,698;838,980;1198,1356;1442,1
 520;1594,1721;1805,1987;2069,2453
 38581 1330,12657 1,154;1256,1422;11502,11586;12367,14719
 38581 42943,44866 256,338;1213,1422;11502,11586;16807,16981;17
 081,17272;19388,19538;19964,20079;20933,21211;21372,21522;23045,23217;24871,2501
 8;26697,26837;27964,28001;39582,39735;41658,45801
 38581 1330,12661 279,338;632,702;1256,1422;11502,11586;12367,1
 3456
 38581 1330,48048 320,338;1256,1422;11502,11586;12367,12616;168
 07,16981;17081,17272;19388,19538;19964,20079;20933,21211;21372,21522;23045,23217
 ;24871,25018;26697,26837;27964,28001;39582,39735;48022,48178
 38581 46664,50026 46650,46771;48022,48202;49850,50434
 38581 54574,55129 46656,46771;54567,57610
 38582 34,17211 1,172;10985,11035;11939,12107;13101,13176;13284
 ,13375;16813,16955;17176,17851
 38582 34,17211 1,172;10985,11035;11939,12107;13101,13176;13284
 ,13375;16813,16955;17176,17854
 38582 34,17211 16,172;10985,11035;11939,12107;13101,13176;1328
 4,13375;13986,14039;16813,16955;17176,17860
 38583 2082,34712 1,155;2037,2276;7336,7489;8856,9073;16041,161
 90;18120,18234;30284,30390;31527,31722;32495,32653;32962,33060;33819,34005;34585
 ,36142
 38584 123,42462 1,1226;11643,11775;22967,23134;31765,32048;334
 70,33653;34335,34510;36453,36628;41894,45047
 38585 18114,39836 1,79;7797,8183;18114,18312;19932,20041;20441
 ,20533;21149,21246;23481,23562;23887,24015;24147,24272;25188,25400;27356,27496;2
 7582,27746;30914,31021;31618,31793;32671,32783;34002,34121;37287,37465;38262,384
 25;39259,39391;39788,41087
 38585 18114,39836 1,79;7797,8183;18114,18312;19932,20041;21149
 ,21246;23481,23562;23887,24015;24147,24272;25188,25400;27356,27496;27582,27746;3
 0914,31021;31618,31793;32671,32783;34002,34121;37287,37465;38262,38425;39259,393
 91;39788,41087
 38585 18114,39836 21,79;7797,8183;18114,18312;19932,20041;2114
 9,21246;23481,23562;23887,24015;24147,24272;25188,25400;27356,27496;27582,27746;
 30914,31021;31024,31050;31645,31793;32671,32783;34002,34121;37287,37465;38262,38
 425;39259,39391;39788,41087
 38585 18114,39836 40,79;7797,8183;18114,18312;19932,20041;2044
 1,20533;21149,21246;23481,23562;23887,24015;24147,24272;25188,25400;27356,27496;
 27582,27746;30914,31021;31024,31050;31645,31793;32671,32783;34002,34121;37287,37
 465;38262,38425;39259,39391;39788,41087
 38585 18114,39836 52,79;18114,18312;19932,20041;21149,21246;23
 481,23562;23887,24015;24147,24272;25188,25400;27356,27391;27393,27458;27461,2749
 6;27582,27746;30914,31021;31024,31050;31645,31793;32671,32783;34002,34121;37287,
 37465;38262,38425;39259,39391;39788,40709
 38586 132,43042 1,207;7575,7638;9541,9646;29735,29860;29943,30
 004;30083,30213;31244,31307;35446,35548;36353,36466;38197,38295;42997,43622
 38587 204,2061 1,511;1124,2437

38588 140, 10493 1, 554; 7525, 7644; 10254, 10839; 12223, 12326; 13180, 13281; 14187, 14228; 15665, 15736; 20622, 20675; 22577, 22691; 23705, 23780

38588 140, 23761 1, 554; 7525, 7644; 12223, 12326; 13180, 13281; 14187, 14228; 15665, 15736; 20622, 20675; 22577, 22691; 23705, 23780

38589 515, 224330 1, 638; 119055, 119239; 213786, 213940; 216859, 216987; 219272, 219401; 222593, 222746; 224139, 224675

38590 13469, 79078 13469, 13549; 40818, 40922; 52306, 52348; 53188, 53266; 55715, 55759; 57637, 57689; 62442, 62562; 64259, 64346; 64515, 64603; 64896, 64965; 65059, 65228; 67189, 67298; 69228, 69258; 72950, 72983; 77057, 77121; 78930, 79077

38590 332, 146266 1, 598; 40818, 40922; 52306, 52348; 53188, 53266; 55715, 55759; 57637, 57689; 62442, 62562; 64259, 64346; 64515, 64603; 64896, 64965; 65059, 65228; 67189, 67298; 69228, 69258; 72950, 72983; 77057, 77121; 103594, 103817; 106921, 107039; 112690, 112815; 117009, 117076; 120405, 120503; 126342, 126519; 128384, 128461; 135134, 135250; 137942, 138010; 144043, 144188; 146116, 148764

38590 332, 79078 1, 598; 40818, 40922; 52306, 52348; 53188, 53266; 55715, 55759; 57637, 57689; 62442, 62562; 64259, 64346; 64515, 64603; 64896, 64965; 65059, 65228; 67189, 67298; 69228, 69258; 72950, 72983; 77057, 77121; 78930, 79911; 79935, 81007

38590 332, 146266 332, 343; 349, 396; 401, 598; 40818, 40922; 52306, 52348; 53188, 53266; 55715, 55759; 57637, 57689; 62442, 62562; 64259, 64346; 64515, 64603; 64896, 64965; 65059, 65228; 67189, 67298; 69228, 69258; 72950, 72983; 77057, 77121; 103594, 103817; 106921, 107039; 112690, 112815; 117009, 117076; 120405, 120503; 126342, 126519; 128384, 128461; 135134, 135250; 137942, 138010; 144043, 144159; 144162, 144188; 146116, 148764

38590 332, 79078 332, 343; 349, 396; 401, 598; 40818, 40922; 52306, 52348; 53188, 53266; 55715, 55759; 57637, 57689; 62442, 62562; 64259, 64346; 64515, 64603; 64896, 64965; 65059, 65228; 67189, 67298; 69228, 69258; 72950, 72983; 77057, 77121; 78930, 80580

38591 22623, 24119 1, 100; 22621, 23078; 23724, 24251; 25813, 25977; 27264, 28452

38591 22623, 24119 1, 99; 22620, 23078; 23724, 24020; 24023, 24118

38591 22623, 27495 4, 100; 22621, 23078; 25813, 25977; 27264, 28860

38592 246, 8785 1, 342; 4860, 5045; 5135, 5275; 5362, 5495; 5876, 5922; 6232, 6345; 6570, 6645; 6761, 6875; 7193, 7323; 7519, 7626; 7708, 7901; 8238, 8316; 8395, 8482; 8552, 8664; 8761, 9216

38592 246, 8785 204, 342; 4860, 5045; 5135, 5275; 5362, 5495; 5876, 5922; 6232, 6345; 6570, 6645; 6761, 6875; 7193, 7323; 7519, 7626; 7708, 7901; 8238, 8316; 8395, 8482; 8552, 8664; 8761, 9219

38592 5463, 8654 204, 342; 4860, 5045; 5135, 5275; 5362, 5495; 5876, 5922; 6232, 6345; 6570, 6645; 6761, 6875; 7193, 7323; 7522, 7626; 7708, 7901; 8238, 8304; 8309, 8316; 8395, 8482; 8552, 8664; 8761, 9219

38592 4718, 8785 3954, 5045; 5135, 5275; 5362, 5495; 5876, 5922; 6232, 6345; 6570, 6645; 6761, 6875; 7193, 7323; 7519, 7626; 7708, 7901; 8238, 8316; 8395, 8482; 8552, 8664; 8761, 9219

38593 11860, 18042 1, 386; 11831, 12295; 15134, 15331; 16753, 16800; 16919, 17065; 17863, 18512

38594 25422, 33134 1, 155; 25405, 25770; 27063, 27174; 29174, 29269; 30637, 30772; 32990, 34339

38594 23159, 33134 23054, 23168; 25405, 25770; 27063, 27174; 29174, 29269; 30637, 30772; 32990, 34339

38594 29674, 30494 29674, 30017; 30076, 30136; 30138, 30197; 30203, 30493

38595 3109, 11458 1059, 1268; 3103, 3226; 4155, 4228; 4621, 4799; 5854,

5979;7564,7808;11165,11897

38595 3109,11458 1,46;1114,1268;3103,3226;4155,4228;4621,4799;

5854,5979;7564,7808;11165,11474

38595 3109,11458 29,46;138,268;1114,1268;3103,3226;4155,4228;4
621,4799;5854,5979;7564,7808;11165,11522

38596 1808,6095 1085,1238;1753,1883;2159,2222;3498,3628;4549,4
693;5359,6279

38596 1808,6095 1,646;1753,1883;2159,2222;3498,3628;4549,4693;
5359,6279

38596 5480,6095 1,646;1753,1883;2159,2222;3498,3628;4549,4693;
5359,6279

38596 1808,6095 585,646;1753,1883;2159,2222;3498,3628;4549,469
3;5359,6279

38597 142779,451683 1,25;132186,132311;142674,142874;287586,28
7688;317906,318141;433147,435116;451022,452090

38597 142779,451683 142674,142874;287586,287688;317906,318141;
433147,435116;451022,454267

38597 433762,440745 433608,435116;440672,441371;449376,449409;
451022,452090

38598 1,18557 1,85;2731,2928;3618,4866;5018,5185;5331,5451;604
6,6142;6249,6329;6460,6576;7863,7958;8059,8174;8570,8696;10346,10468;10559,10702
;11195,11805;11930,12164;12517,12603;13521,13736;14439,14609;15375,15552;16687,1
6791;17006,17149;17654,17784;18516,18562;18700,19230

38598 13526,18557 4044,4866;5018,5185;5331,5451;6046,6142;6249
,6329;6460,6576;7863,7958;8059,8174;8570,8696;10346,10468;10559,10702;11195,1180
5;11930,12164;12517,12603;13521,13736;14439,14609;15375,15552;16687,16791;17654,
17784;18516,18562;18700,19230

38598 82,18557 54,85;2731,2928;3618,4866;5018,5185;5331,5451;6
046,6142;6249,6329;6460,6576;7863,7958;8059,8174;8570,8696;10346,10468;10559,107
02;11195,11805;11930,12164;12517,12603;13521,13736;14439,14609;15375,15552;16687
,16791;17006,17149;17654,17784;18516,18562;18700,19563

38599 87237,119682 1,131;87212,87355;104712,104801;106759,1069
93;119493,120356

38599 87237,119682 6,131;87212,87355;104712,104801;106759,1069
93;119493,120533

38600 33,16337 1,158;3370,3547;9906,9987;12307,12468;13818,140
15;15997,16477

38600 45,16337 1,158;3370,3547;9906,9987;12307,12468;13818,140
15;15997,16477

38600 13894,16337 9820,9987;12307,12468;13818,14015;15997,1647
7

38601 32866,148451 1,414;32867,32944;35973,36117;47880,48003;6
1478,61640;69733,69819;75097,75234;78785,78861;81113,81186;88674,88822;94015,941
42;94942,95037;96180,96341;96953,97179;100507,100577;101377,101605;103324,103524
;112374,112516;119753,119848;134244,134422;136242,136320;140044,140123;144379,14
4502;147772,147967;148279,150034

38601 369,148451 153,414;32867,32944;35973,36117;47880,48003;6
1478,61640;69733,69819;75097,75234;78785,78861;81113,81186;88674,88822;94015,941
42;94942,95037;96180,96341;96953,97179;100507,100577;101377,101605;103324,103524
;112374,112516;134244,134422;136242,136320;140044,140123;144379,144502;147772,14

7967;148279,150034

38601 32866,148451 171,414;32867,32944;35973,36117;47880,48003
;61478,61640;69733,69819;75097,75234;78785,78861;81113,81186;88674,88822;94015,9
4142;94942,95037;96180,96341;96953,97179;100507,100577;101377,101605;103324,1035
24;112374,112516;134244,134422;136242,136320;140044,140123;144379,144502;147772,
147967;148279,148887

38601 32866,148451 311,414;32867,32944;35973,36117;47880,48003
;61478,61640;69733,69819;75097,75234;140044,140123;144379,144502;147772,147967;1
48279,148882

38602 12,12763 1,187;3315,3469;3585,3692;3790,3848;5876,5975;6
310,6430;7202,7257;7793,7925;8233,8384;8987,9058;9800,9867;10717,10840;11509,116
36;12634,12912

38602 7065,12763 3381,3469;3585,3692;3790,3848;5876,5975;6310,
7257;7793,7925;8233,8384;8987,9058;9800,9867;10717,10840;11509,11636;12634,14025
;15192,15279;17288,18391

38602 12,12763 8,187;3315,3469;3585,3692;3790,3848;5876,5975;6
310,6430;7202,7257;7793,7925;8233,8384;8987,9058;9800,9867;10717,10840;11509,116
36;12634,12912

38603 49,12212 1,116;1472,1577;3632,3745;6767,6889;12146,12151
;12157,12183;12188,12211

38603 3647,12287 1,116;3632,3745;6767,6889;12146,13222

38603 3647,12287 98,347;3632,3745;6767,6889;12146,13222

38604 691,25949 1,794;13959,14446;19756,19919;22558,22688;2575
3,26655;27263,27526

38604 691,25949 580,794;13959,14446;19756,19919;22558,22688;25
753,26154

38605 65,5200 1,151;263,373;1396,1473;5026,5361

38605 65,5200 1,151;263,373;1396,1473;5026,5365

38606 63,5205 1,149;261,371;1394,1471;5031,5370

38607 4794,9833 1,212;1379,2371;4789,4997;7292,7402;7763,7819;
8048,8275;9188,9307;9740,10061

38607 4794,9833 88,370;4789,4997;7292,7402;7763,7819;8048,8275
;9188,9307;9740,10061

38608 56159,95488 1,53;1739,1794;56155,57684;62853,62960;75283
,75477;75645,75779;84880,85108;91890,92005;95289,96268

38608 62914,95488 62915,62960;75283,75477;75645,75779;80694,80
900;84880,85108;91890,92005;95289,96268

38609 27,2045 1,1362;1533,2357

38610 592,3242 1,19;538,721;865,916;1004,1166;1542,1617;1700,1
852;2717,2841;2957,3919

38610 350,2980 351,382;568,721;865,916;1004,1166;1542,1617;170
0,1852;2957,3120;3266,3903

38611 807,2344 1,413;797,934;1263,1547;1625,1742;2137,2206;228
8,2344

38611 55,2344 1,413;797,934;1263,1547;1625,1742;2137,2206;2288
,2581

38611 55,2254 1,413;797,934;1263,1547;1625,1742;2137,2581

38611 55,2344 1,413;797,967;1239,1547;1625,1742;2137,2206;2288
,2581

38611 55,2344 1,413;797,967;1263,1547;1625,1742;2137,2206;2288

,2581
38611 807,1727 1,413;797,967;1324,1436;1441,1477;1699,1727
38611 484,2254 485,1547;1625,1742;2137,2577
38611 807,2344 808,934;1263,1547;1625,1742;2137,2206;2288,2575
38612 27,13421 1,114;4838,4953;5499,5608;6453,6562;7659,7766;8
233,8385;8603,8733;9655,9820;10057,10191;10626,10765;11743,11857;12194,12289;123
69,12509;12855,12984;13387,13569;13671,13876
38612 27,13421 1,114;4838,4953;5499,5608;6453,6562;7659,7766;8
233,8385;8603,8733;9655,9820;10057,10191;10626,10765;11743,11857;12194,12289;123
69,12509;12855,12984;13387,13876
38613 2913,121867 1,567;2705,2786;2871,2980;55672,58034;71834,
72015;76846,77022;85468,85630;90919,91200;116456,116568;118871,119018;121373,123
366
38613 55688,121867 1,567;2705,2786;2871,2980;55672,58034;71834
,72015;76846,77022;85468,85630;90919,91200;116456,116568;118871,119018;121373,12
3366
38613 55688,121867 2025,2786;2871,2980;55672,58034;71834,72015
;76846,77022;85468,85630;90919,91200;116456,116568;118871,119018;121373,122242
38614 6249,41893 1,40;6149,6344;6778,6877;9939,10092;13079,132
42;13351,13352;15616,15759;19025,19042;19045,19077;19080,19094;19097,19105;21158
,21312;29433,29523;36807,36966;39034,39145;41033,41146;41598,44003
38614 6249,41893 6149,6344;6778,6877;9939,10092;13079,13238;15
616,15759;19025,19105;21158,21312;29433,29523;36807,36966;39034,39145;41033,4114
6;41598,41945;43515,43554
38614 6249,41893 6179,6344;6778,6877;9939,10092;13079,13242;13
351,13352;15616,15759;19025,19042;19045,19077;19080,19094;19097,19105;21158,2131
2;29433,29523;36807,36966;39034,39145;41033,41146;41598,41945;43515,43559
38615 45,27071 1,231;1092,1186;9374,9493;11065,11212;22182,223
34;23436,23524;23645,23874;26455,27858
38616 63,22575 1,416;3037,3183;3339,3495;4502,4623;12136,12223
;14515,14646;15606,15752;16336,16413;22513,22582;22683,22771
38616 63,22575 1,416;3037,3183;3339,3495;4502,4623;6396,6533;1
2136,12223;14515,14646;15606,15752;16336,16413;22513,22582;22683,22771
38616 63,22575 23,416;3037,3183;3339,3495;4502,4623;6396,6533;
12136,12223;14515,14646;15606,15752;16336,16413;22513,22582;22683,22766
38617 3468,3732 1,89;3452,4176
38617 3468,3732 1,89;3452,4177
38617 3441,3732 34,413,731
38618 601,17016 1,111;600,1127;2257,2508;2656,2925;5616,5782;8
867,9032;10815,11056;13220,13390;16756,18766
38618 601,17016 1,111;600,1127;2257,2508;2656,2925;5616,5782;8
867,9032;10815,11056;13220,13390;16756,18774
38618 8833,16997 8626,9032;13220,13390;16756,18424
38619 2620,12526 1,123;2403,2634;9871,9997;10262,10357;11006,1
5040
38619 2620,12526 1,123;2404,2634;9871,9997;10262,10357;11006,1
5040
38619 2620,15229 16,123;2404,2634;9871,9997;10262,10357;11006,
11248;15113,15593
38620 182,75643 1,225;2230,2421;5207,5327;5689,5843;8372,8573;

12213, 12301; 17488, 17745; 20954, 21079; 31002, 31081; 42382, 42487; 44578, 44713; 46319, 46468; 51789, 51933; 58539, 58600; 64447, 64602; 75565, 75829

38621 182, 75643 1, 225; 2230, 2421; 5207, 5327; 5689, 5843; 8372, 8573;

12213, 12301; 17488, 17745; 20954, 21079; 31002, 31081; 42382, 42487; 44578, 44713; 46319, 46468; 51789, 51933; 58539, 58600; 64447, 64602; 75565, 75829

38622 112, 104345 10, 175; 17324, 17388; 49747, 49873; 74905, 75032; 7735, 77820; 87433, 87502; 103196, 103232; 104316, 104507

38622 19, 104345 1, 175; 17324, 17388; 20427, 20471; 24666, 24719; 27567, 27686; 36033, 36119; 49747, 49873; 74905, 75032; 77735, 77820; 87433, 87502; 103196, 103232; 104316, 104507

38622 112, 104345 1, 175; 17324, 17388; 20427, 20471; 24666, 24719; 27567, 27686; 49747, 49873; 74905, 75032; 77735, 77820; 87433, 87502; 103196, 103232; 104316, 104507

38622 112, 104345 1, 175; 17324, 17388; 20427, 20471; 24666, 24719; 27567, 27686; 49747, 49873; 74905, 75032; 77735, 77820; 87433, 87502; 103196, 103232; 104316, 104507

38622 112, 104345 1, 175; 17324, 17388; 20427, 20471; 24666, 24719; 27567, 27686; 49747, 49873; 74905, 75032; 77735, 77820; 87433, 87502; 103196, 103232; 104316, 104507

38622 25, 104345 1, 175; 17324, 17388; 20427, 20471; 24666, 24719; 27567, 27686; 49747, 49873; 74905, 75032; 77735, 77820; 87433, 87502; 103196, 103232; 104316, 104507

38622 25, 602 23, 175; 294, 601

38622 112, 104345 5, 175; 17324, 17388; 17778, 17821; 20427, 20439; 20442, 20471; 24666, 24719; 27567, 27686; 36033, 36119; 49747, 49873; 74905, 75032; 77735, 77820; 87433, 87502; 103196, 103232; 104316, 104507

38622 19, 104345 7, 175; 17324, 17388; 20427, 20471; 24666, 24719; 27567, 27686; 36033, 36119; 49747, 49873; 74905, 75032; 77735, 77820; 87433, 87502; 103196, 103232; 104316, 104991

38623 12476, 30339 1, 171; 12476, 12523; 15720, 15811; 15926, 16029; 19732, 19853; 27062, 27267; 28077, 28182; 29228, 29394; 30182, 32160

38623 30118, 30553 2, 912, 832, 160

38623 12476, 27272 45, 171; 12476, 12523; 15720, 15811; 15926, 16029; 19732, 19853; 27062, 27346; 28077, 28182; 29228, 32160

38624 64, 121730 1, 104; 13308, 13415; 36362, 36488; 86104, 86265; 93562, 93756; 112471, 112576; 121117, 121223; 121616, 122184

38624 13301, 121730 13301, 13321; 13327, 13415; 36362, 36488; 86104, 86265; 93562, 93660; 93663, 93760; 112471, 112498; 112501, 112576; 121117, 121223; 121616, 122184

38624 10125, 121730 54, 104; 10038, 10137; 13308, 13415; 36362, 36488; 86104, 86265; 93562, 93756; 112471, 112576; 121117, 121223; 121616, 122184

38625 97, 12297 1, 179; 3701, 3864; 4272, 4336; 5302, 5430; 9379, 9476; 10169, 10244; 10874, 10958; 11075, 11294; 11381, 11511; 11597, 11745; 12171, 12530

38625 3777, 12297 2496, 2573; 3701, 3864; 4272, 4336; 5302, 5430; 9379, 9476; 10169, 10244; 10874, 10958; 11075, 11294; 11381, 11511; 11597, 11745; 12171, 12782

38625 97, 12297 8, 179; 3701, 3864; 4272, 4336; 5302, 5430; 9379, 9476; 10169, 10244; 10874, 10958; 11075, 11294; 11381, 11511; 11597, 11745; 12171, 12530

38626 30, 68763 1, 208; 7474, 7514; 11862, 11931; 27760, 27908; 30096, 30330; 42435, 42520; 42794, 42878; 44780, 44925; 45686, 45781; 49406, 49501; 59091, 59197; 59706, 59729; 68709, 69821

38626 30,68763 1,208;7474,7514;11862,11931;27760,27908;30096,30330;42435,42520;42794,42878;44780,44925;45686,45781;49406,49501;59091,59197;68709,69813

38626 30,68763 31,208;7474,7514;11862,11931;27760,27908;30096,30330;42435,42520;42794,42878;44780,44925;45686,45781;59091,59197;59706,59729;68709,68763

38627 1121,673530 1110,1185;173701,173779;269058,269115;317068,317160;372533,372627;408596,408662;415259,415531;416787,416885;457784,457918;516226,516268;551242,551379;581576,581668;593449,593504;602733,602852;604454,604512;605611,605764;614849,614970;635955,636042;652008,652081;657755,657819;661526,661629;672171,672267;673397,674391

38627 1121,673530 1112,1185;173701,173779;269058,269115;317068,317160;372533,372627;408596,408662;415259,415531;416787,416885;457784,457918;516226,516268;551242,551379;581576,581668;593449,593504;602733,602852;604454,604513;605612,605764;614849,614970;635955,636042;652008,652081;657755,657819;661526,661629;672171,672267;673397,674391

38627 1121,673530 1,1185;173701,173779;269058,269115;317068,317160;372533,372627;408596,408662;415259,415531;457784,457918;516226,516268;551242,551379;581576,581668;593449,593504;602733,602852;604454,604512;605611,605764;614849,614970;635955,636042;652008,652081;657755,657819;661526,661629;672171,672267;673397,674391

38628 0,503221 1,645;648,707;503042,503221

38628 98900,99522 98750,98995;99080,99284;99394,99593

38629 68,31944 1,128;3460,3520;4812,4881;7593,7798;9172,9344;11272,11441;20534,20662;30909,31046;31839,32949

38629 68,31944 1,128;3460,3520;4812,4881;7593,7798;9172,9344;11272,11441;20534,20662;31839,32949

38630 0,9539 1,620;745,2301;3169,3299;3447,3543;5090,5191;5409,5510;6689,11375

38631 218,61815 1,375;5272,5317;17153,17253;17800,17839;61692,61814

38631 347,60802 294,375;5272,5317;17153,17253;17800,17839;20221,20333;21874,22027;28475,28609;31008,31113;33478,33575;35296,35421;35619,35702;37241,37324;37852,37976;42266,42431;42987,43141;44317,44470;46520,46711;48056,48221;51868,52053;60392,64360

38631 347,60802 347,375;5272,5317;17153,17253;17800,17839;20221,20333;21874,22027;28475,28609;31008,31113;33478,33575;35296,35421;35619,35702;37241,37324;37852,37976;42266,42431;42987,43141;44317,44470;46520,46711;48056,48221;51868,52053;60392,64360

38632 1265,65788 10,193;1234,1784;7984,8165;8679,8795;9310,9487;11301,11389;25972,26124;28950,29130;30504,31591;37188,37245;43655,43758;44447,44536;44888,45001;45175,45252;45858,46035;49225,49272;49517,49608;51263,51378;52863,53188;65720,66729

38632 15522,65788 1,193;1234,1784;7984,8165;8679,8795;9310,9487;11301,11389;13411,13462;14359,14428;15515,15641;16926,17045;25972,26124;28950,29130;30504,31591;31989,32139;34794,34880;35406,35506;37188,37245;43655,43758;44447,44536;44888,45001;45175,45252;45858,46035;49225,49272;49517,49608;51263,51378;52863,53188;65720,66074

38632 35477,65788 15521,15641;16926,17045;25972,26124;28950,29130;30504,31591;31989,32139;34794,34880;35406,35506;37188,37245;43655,43758;4444

7,44536;45175,45252;45858,46035;49225,49272;49517,49608;51263,51378;52863,53188;
65720,66505
38633 587,7206 1,79;498,650;729,835;922,1043;4121,4196;4316,44
62;4625,4726;5630,5730;5826,5881;6220,6365;6483,6539;7026,7245
38633 34801,47682 34676,34828;36179,36365;36585,36738;37897,37
980;38111,38215;38338,38418;38526,38595;38740,38828;38956,39063;39671,39780;4158
2,41618;42771,42839;42919,42974;43590,43697;43812,43870;43976,44091;44214,44256;
45150,45222;45717,45899;47456,47516;47643,47985
38633 48151,49535 48149,48478;49242,49704
38633 587,7206 496,650;729,835;922,1043;4121,4196;4316,4462;46
25,4726;5630,5730;5826,5881;6220,6365;6483,6539;7026,7245
38633 587,7206 576,650;729,835;922,1043;4121,4196;4316,4462;46
25,4726;5630,5730;5826,5881;6220,6365;7026,7245
38633 9076,32689 8069,8203;8895,9138;12526,12596;12759,12814;1
2932,13002;14618,14734;14818,14874;15040,15121;15592,15698;15870,15991;32529,332
59
38633 9076,32689 8089,8203;8895,9138;12526,12596;12759,12814;1
2932,13002;14618,14734;14818,14874;15040,15121;15592,15698;15870,15991;32529,332
59
38634 6939,20227 1,175;6839,7161;11693,11833;19295,20969
38634 6939,20227 18,175;6839,7161;11693,11833;19295,20969
38634 6939,20227 6939,7161;11693,11833;19295,20988
38635 6,239994 1,95;258,337;2600,2657;124147,124230;125252,125
372;127640,127744;131156,131228;135957,136057;139977,140092;144723,145190;153487
,153952;157680,157763;190769,190831;192517,192597;192725,192874;206722,206823;21
3530,213641;216049,216095;217201,217389;218606,218726;224091,224209;228435,22864
4;229619,229753;231789,231913;236171,236316;239900,240005;245738,246604
38635 6,239994 1,95;258,337;2600,2657;124147,124230;125252,125
372;127640,127744;131156,131228;135957,136057;139977,140092;144723,145190;153487
,153952;157680,157763;190769,190831;192517,192597;192725,192874;206722,206823;21
3530,213641;216049,216095;218606,218726;224091,224209;228435,228644;229619,22975
3;231789,231913;236171,236316;239900,240005;245738,246604
38635 6,239994 3,95;258,337;2600,2657;124147,124230;125252,125
372;127640,127744;131156,131228;135957,136057;139977,140092;144723,145190;153487
,153952;157680,157763;160884,161003;161851,161904;190769,190831;192517,192597;19
2725,192874;206722,206823;213530,213641;216049,216095;218606,218726;224091,22420
9;228435,228644;229619,229753;231789,231913;236171,236316;239900,240005;240929,2
43875
38635 6,239994 7,95;258,337;2600,2657;124147,124230;125252,125
372;127640,127744;131156,131228;135957,136057;139977,140092;144723,145190;153487
,153952;157680,157763;190769,190831;192517,192597;192725,192874;206722,206823;21
3530,213641;224091,224209;228435,228644;229619,229753;231789,231913;236171,23631
6;239900,240005;245738,246355
38636 11901,31821 1,555;11836,12055;14568,14653;25675,25831;27
429,27511;28347,28439;31681,33495
38636 11901,31821 822,962;11836,12055;14568,14653;25675,25831;
27429,27511;28347,28439;31681,33495
38637 3164,7489 1,60;3164,3236;3524,3619;3732,3827;7171,7194;7
196,7302;7411,8853
38637 3164,7605 1,60;3164,3236;3524,3619;3732,3827;7171,7302;7

411,8857
 38637 46,7605 1,60;3164,3236;3524,3619;3732,3827;7171,7302;741
 1,8859
 38638 7161,14811 1,269;1859,1978;6299,7310;11563,11635;12846,1
 3022;14749,15595
 38638 7161,14811 7076,7310;11563,11635;12846,13022;14749,15287
 38638 7161,14811 7162,7330;11565,11635;12846,13022;14749,15283
 ;15314,15603
 38639 1235,8347 1,296;1076,1244;3454,3617;4259,4429;4765,4863;
 5248,5323;5485,5570;5838,5965;6144,6193;7405,7454;7937,7984;8251,10002
 38639 1235,8347 1,296;1076,1244;3454,3617;4259,4433;4769,4863;
 5248,5323;5485,5570;5838,5965;6144,6193;7405,7454;7937,7984;8251,10002
 38640 41,31392 12,273;8635,8860;11887,11949;23205,23325;27285,
 27481;28078,28176;30840,32363
 38640 8636,31392 1,486;8635,8860;11887,11949;23205,23325;27285
 ,27481;28078,28176;30840,32363
 38640 8768,31310 8719,8860;11887,11949;23205,23325;27285,27481
 ;28078,28176;30837,31109;31115,31309
 38641 1351,6812 1262,1862;3020,3057;6600,6812
 38641 1351,3679 1,874;1301,1862;3020,3180;3260,3407;3585,3702;
 6007,6572;6661,6868
 38641 1351,3679 600,874;1301,1862;3020,3180;3260,3407;3585,435
 0
 38642 74,175852 1,323;406,469;713,840;149885,149968;168874,169
 006;170285,170387;170645,170728;171650,171793;172596,172755;172842,172949;174032
 ,174107;175419,176768
 38642 74,175852 1,323;406,469;713,840;149885,149968;168874,169
 006;170285,170387;170645,170728;171650,171793;172596,172755;172842,172949;174032
 ,174107;175419,176771
 38643 247,15680 1,454;11297,11373;12343,12508;15561,16521
 38644 449,36535 1,283;347,542;9732,9928;12411,12644;15836,1592
 3;17628,17714;18835,18953;36523,36534
 38644 449,59259 361,542;9732,9928;12411,12644;15836,15923;1762
 8,17714;18835,18953;32373,32531;38888,39020;43788,43935;53894,53984;59121,60955
 38644 449,59259 368,542;9732,9928;12411,12644;15836,15923;1762
 8,17714;18835,18953;32373,32531;38888,39020;43788,43935;53894,53984;59121,60955
 38645 115,20871 1,117;2174,2243;5892,6050;6850,6901;20855,2087
 1
 38645 13609,71487 13386,13737;14173,14318;15453,15568;16777,16
 978;22689,22740;27257,27405;29845,29923;31779,31885;32424,32580;37625,37730;3862
 5,38753;39170,39320;48017,48152;48847,48971;49199,49372;55212,55442;55850,56547;
 58566,58893;64494,64677;65731,65881;71404,73908
 38645 13609,71487 13435,13737;14173,14318;15453,15568;16777,16
 978;22692,22740;27257,27405;29845,29923;31779,31885;32424,32580;37625,37730;3862
 5,38753;39170,39299;48017,48152;48847,48971;49199,49372;55212,55442;55850,56547;
 58569,58893;64494,64677;65731,65881;71404,73909
 38646 57,16806 1,114;4612,4787;5668,5780;6421,6490;7157,7234;8
 354,8494;9684,9832;12093,12270;15157,15198;15624,15708;16040,16279;16729,17229
 38646 3951,16806 3751,4017;4612,4787;5668,5780;6421,6490;7157,
 7234;8354,8494;9684,9832;12093,12270;15157,15198;15624,15708;16040,16279;16729,1

7231

38646 3864,6638 3864,4017;4612,4787;5668,5780;6421,8494;8582,9
253

38647 66,26270 1,247;10291,10582;15862,16010;17904,17953;20336
,20494;20936,21037;21203,21348;22967,23225;25110,27722

38647 66,26270 1,247;10291,10582;15862,16010;17904,17953;20336
,20494;21245,21348;22967,23225;25110,27722

38647 66,26270 18,247;10291,10582;15862,16010;17904,17953;2033
6,20494;21245,21348;22967,23225;25110,27738

38647 22973,25914 42,247;10291,10582;15862,16010;17904,17953;2
0336,20494;21245,21348;22967,23225;25110,25627;25632,25646;25651,25842;25845,259
13

38648 1098625,1098955 10,986,261,098,955

38648 1313871,1691494 1313618,1313958;1499018,1499260;1560648,
1560791;1568118,1568171;1576420,1576512;1578242,1578302;1588156,1588209;1611474,
1611554;1634686,1634818;1652428,1652470;1657645,1657709;1674186,1674238;1689927,
1690002;1691494,1692094

38648 1313871,1691494 1313620,1313958;1499018,1499260;1560648,
1560791;1568118,1568171;1576420,1576512;1578242,1578302;1588156,1588209;1611474,
1611554;1634686,1634818;1652428,1652470;1657645,1657709;1674186,1674238;1689927,
1690002;1691494,1693368

38648 1313871,1691616 1313620,1313958;1499018,1499260;1560648,
1560791;1568118,1568171;1576420,1576512;1578242,1578302;1588156,1588209;1611474,
1611554;1634686,1634818;1652428,1652470;1657645,1657709;1689927,1690002;1691494,
1693368

38648 1313871,1691616 1313620,1313958;1499018,1499260;1560648,
1560791;1568118,1568171;1576420,1576512;1578242,1578302;1588156,1588209;1611474,
1611554;1634686,1634818;1652428,1652470;1657645,1657709;1689927,1690002;1691572,
1693368

38648 1499017,1691616 1499017,1499260;1560648,1560791;1568118,
1568171;1576420,1576512;1578242,1578302;1588156,1588209;1611474,1611554;1634686,
1634818;1645800,1645839;1657645,1657709;1689927,1690002;1691494,1694209

38648 1499017,1691616 1499018,1499260;1560648,1560791;1568118,
1568171;1576420,1576512;1578242,1578302;1588156,1588209;1634686,1634818;1645800,
1645839;1657645,1657709;1689927,1690002;1691494,1691616

38648 1032941,1691616 1,862;297865,297927;635473,635520;103292
7,1032968;1499018,1499260;1560648,1560791;1568118,1568171;1576420,1576512;157824
2,1578302;1588156,1588209;1611474,1611554;1634686,1634818;1645800,1645839;165764
5,1657709;1689927,1690002;1691494,1691715

38648 358818,359313 358,633,360,551

38648 685910,686252 684,753,686,423

38649 46074,139581 1,174;23803,23844;36788,36829;37654,37704;4
3527,43576;46070,46241;48983,49033;50478,50600;51027,51091;52994,53077;57393,575
05;57935,57995;58220,58295;58875,59004;61628,61693;63025,63141;94952,96529;10782
8,108024;108873,108948;112492,112584;113649,113672;114157,114195;122101,122299;1
25280,126349;129041,129127;130223,130354;130732,130824;131594,131671;133720,1337
91;134048,134216;135368,135436;135932,135964;139436,141250

38649 46074,139581 1,174;23803,23844;36788,36829;37654,37704;4
3527,43576;46070,46241;48983,49033;50478,50600;51027,51091;52994,53077;57393,575
05;57935,57995;58220,58295;58875,59004;61628,61693;63025,63141;94952,96529;10782

8,108024;108873,108948;112492,112584;113649,113672;114157,114195;122101,122299;1
 25280,126349;129041,129127;130223,130354;130732,130824;131594,131671;133720,1337
 91;134048,134216;135368,135436;135932,135964;139436,141258
 38649 46074,84442 40226,40436;43527,43576;46070,46241;48983,49
 033;50478,50600;51027,51091;52994,53077;57393,57505;57935,57995;58220,58295;5887
 5,59004;61628,61693;63025,63141;84338,84809
 38649 46074,144100 46073,46199;49001,49033;50478,50600;51027,5
 1091;52994,53077;57393,57505;57935,57995;58220,58295;58875,59004;61628,61693;630
 25,63141;94952,95098;144044,144237
 38650 65,32499 1,388;3055,3184;7033,7161;9177,9243;10480,10531
 ;12534,12618;15057,15238;17915,18002;19457,19630;22735,22820;32421,33345
 38650 65,47503 1,388;3055,3184;7033,7161;9177,9243;10480,10531
 ;12534,12618;15057,15238;17915,18002;19457,19630;22735,22820;47455,48412
 38650 30978,34600 30978,31149;34535,34599
 38651 332,665 1,85;284,850
 38652 2,13428 1,412;10895,11019;11188,11267;13417,14900
 38652 173,13428 5,412;10895,11019;11188,11267;13417,14900
 38653 0,993 1,993
 38654 698,10257 1,118;688,807;5049,5221;6397,6542;8254,8435;10
 094,11378
 38654 698,10257 55,118;688,807;5049,5221;6397,6542;8254,8435;1
 0094,11384
 38655 15132,16095 1,190;15082,17672
 38655 15132,16095 4,190;15082,17672
 38656 77,9564 1,367;6488,6716;7813,7869;9046,9887
 38656 7854,9564 69,367;6488,6833;7468,7869;9046,9887
 38657 27,9477 1,124;2754,2812;7688,7795;9412,9512
 38657 27,9477 8,124;2754,2812;7688,7795;9412,9512
 38658 94,8582 1,223;519,563;2206,2281;3057,3105;3593,3677;6388
 ,6446;7991,8182;8444,8597
 38658 94,8582 7,223;519,563;2206,2281;3057,3105;3593,3677;6388
 ,6446;7991,8182;8444,8615
 38659 44536,74777 1,235;13896,14289;44508,44554;49079,49171;60
 878,61049;64670,64787;66649,66733;67337,67449;69683,69849;70680,70792;74607,7490
 4
 38659 44536,74777 14047,14289;42693,42827;44508,44554;49079,49
 171;60878,61049;64670,64787;66649,66733;67337,67449;69683,69849;70680,70792;7460
 7,75197
 38660 63,305390 1,270;1933,2005;6950,7095;8318,8375;9638,9712;
 32210,32304;85168,85232;95239,95320;147285,147379;149696,149868;200413,200563;20
 2368,202476;223100,223143;242162,242240;298444,298568;299276,299358;302118,30223
 5;305330,305719
 38660 63,305390 4,270;1933,2005;6950,7095;8318,8375;9638,9712;
 32210,32304;85168,85232;95239,95320;147285,147379;149696,149868;200413,200563;20
 2368,202476;223100,223143;242162,242240;298444,298568;299276,299358;302118,30223
 5;305330,305719
 38661 187,2584 13,485
 38661 187,2584 188,1642;1820,2584
 38661 187,2584 1,885,043
 38662 135,21791 1,173;8046,8207;9092,9285;10718,10797;12058,12

195;15090,15259;17195,17285;18091,18271;20786,21013;21652,21828;25731,25862
 38662 135,21791 1,173;8046,8207;9092,9285;10718,10797;12058,12
 195;15090,15259;17195,17285;18091,18271;20786,21013;21652,22826
 38663 0,2369 1,42;45,50;743,899;1308,1444;2064,2419
 38663 727,2369 16,41;718,899;1308,1444;2064,3707
 38663 727,2369 623,899;1308,1444;2064,2419
 38664 153,6780 1,209;2031,2156;3097,3144;3815,3981;6764,7495
 38664 153,6780 1,209;2031,2156;3097,3144;3815,3981;6764,7499
 38664 153,3986 1,209;2031,2156;3097,3144;3815,6344
 38664 153,6780 1,209;2031,2156;3815,3981;6764,7499
 38664 153,3986 1,209;2031,2156;3815,6344
 38664 153,2292 1,209;2031,2575
 38664 518,6780 490,562;2031,2156;3097,3144;3815,3981;6764,7499
 38664 518,6780 490,562;2031,2156;3815,3981;6764,7499
 38664 518,3986 490,562;2031,2156;3815,6344
 38665 153,6780 1,209;2031,2156;3097,3144;3815,3981;6764,7495
 38665 153,6780 1,209;2031,2156;3097,3144;3815,3981;6764,7499
 38665 153,3986 1,209;2031,2156;3097,3144;3815,6344
 38665 153,6780 1,209;2031,2156;3815,3981;6764,7499
 38665 153,3986 1,209;2031,2156;3815,6344
 38665 153,2292 1,209;2031,2575
 38665 518,6780 490,562;2031,2156;3097,3144;3815,3981;6764,7499
 38665 518,6780 490,562;2031,2156;3815,3981;6764,7499
 38665 518,3986 490,562;2031,2156;3815,6344
 38666 416,91123 1,484;45929,45973;59876,59965;60146,60175;6026
 5,60317;60456,60551;67421,67506;70359,70445;70798,70967;73103,73147;81900,82031;
 83222,83350;86550,86654;86753,86824;87139,87301;90442,90536;91024,93596
 38667 1601,127328 1,257;1565,1713;10205,10307;13758,13847;2576
 1,25874;28525,28629;32074,32127;41395,41492;47452,47644;71124,71302;73548,73673;
 86635,86736;99601,99714;127267,127735
 38667 1601,127328 1,257;1565,1713;10205,10307;13758,13847;2576
 1,25874;28525,28629;41395,41492;47452,47644;71124,71302;73548,73673;86635,86736;
 99601,99714;127267,127735
 38667 1601,127328 1,257;1566,1713;10205,10307;13758,13847;2576
 1,25874;28525,28629;32074,32127;41395,41492;47452,47644;71124,71302;73548,73673;
 86635,86736;99601,99714;127267,127735
 38667 1601,127328 1,257;1566,1713;10205,10307;13758,13847;2576
 1,25874;28525,28629;41395,41492;47452,47644;71124,71302;73548,73673;86635,86736;
 99601,99714;127267,127735
 38667 1601,127328 304,420;1566,1713;10205,10307;13758,13847;25
 761,25874;28525,28629;32074,32127;41395,41492;47452,47644;71124,71302;73548,7367
 3;86635,86736;99601,99714;127267,127735
 38668 27,13236 1,161;8490,8574;9840,9871;11728,11824;11921,120
 51;13149,14169
 38669 9016,13095 1,159;1925,2256;9010,9160;9571,9748;9954,1021
 6;11239,11946;12952,13095
 38669 9016,12045 1,159;1925,2256;9010,9160;9571,9748;9954,1021
 6;11239,15850
 38669 9016,12045 1,159;1925,2256;9010,9160;9571,9748;9954,1021
 6;11239,15853

38670 31713,44016 1,225;31704,31903;32733,32847;34258,34400;39
486,39634;43864,47072

38670 78,44016 13,225;24481,24776;31704,31903;32733,32847;3425
8,34400;39486,39634;43864,44196

38670 78,44016 25,225;24481,24776;31704,31903;32733,32847;3425
8,34400;39486,39634;43864,44196

38671 212,502856 1,331;118788,118889;298048,298228;344944,3451
22;364759,364890;413290,413381;415794,415877;430953,431078;432285,432667;437101,
437240;440205,440333;442671,442709;454948,455136;455890,456060;467092,467242;473
391,473580;477781,477932;478964,479008;483863,484090;497869,498100;502825,502943

38671 212,704039 1,331;118788,118889;298048,298228;344944,3451
22;364759,364890;413290,413381;415794,415877;430953,431078;432285,432667;437101,
437240;440205,440333;442671,442709;454948,455136;455890,456060;467092,467242;473
391,473580;477781,477932;478964,479008;483863,484090;497869,498100;530962,531072
;545308,545550;683624,683744;695467,695594;703645,705646

38671 212,704039 212,331;118788,118889;298048,298228;344944,34
5122;364759,364890;413290,413381;415794,415877;430953,431078;432285,432667;43710
1,437240;440205,440333;442671,442709;454948,455136;455890,456060;467092,467251;4
73391,473580;477781,477932;478964,479008;483863,484090;497869,498100;530962,5310
72;545308,545550;683624,683744;695467,695594;703645,704038

38671 212,704039 212,331;118788,118889;298048,298228;344944,34
5122;364759,364890;413290,413381;415794,415877;430953,431078;432285,432667;43710
1,437240;440205,440333;442671,442709;454948,455136;455890,456060;467092,467251;4
73391,473580;477781,477932;478964,479008;483863,484090;497869,498100;545308,5455
50;683624,683744;695467,695594;703645,704038

38671 212,704039 212,331;118788,118889;298048,298228;344944,34
5122;364759,364890;413290,413381;415794,415877;430953,431078;432285,432667;43710
1,437240;440205,440333;454948,455136;455890,456060;467092,467242;473391,473580;4
77781,477842;478964,479008;483863,484090;497869,498100;530962,531072;545308,5455
50;683624,683744;695467,695594;703645,704038

38671 212,704039 212,331;118788,118889;298048,298228;344944,34
5122;413290,413381;415794,415877;430953,431078;432285,432667;437101,437240;44020
5,440333;454948,455136;455890,456060;467092,467242;473391,473580;477781,477842;4
78964,479008;483863,484090;497869,498100;530962,531072;545308,545550;683624,6837
44;695467,695594;703645,704038

38671 212,704039 212,331;118788,118889;298048,298228;344944,34
5122;413290,413381;415794,415877;430953,431078;432285,432667;437101,437240;44020
5,440333;454948,455136;455890,456060;467092,467242;473391,473580;477781,477932;4
83863,484090;497869,498100;545308,545550;683624,683744;695467,695594;703645,7040
38

38672 3913,16168 1,37;3874,3924;4626,4653;6327,6432;6811,6983;
9500,9648;9887,9980;11217,11310;13466,13558;14260,14338;16078,16361

38673 64,29426 1,209;26572,26751;29395,29849

38674 1785,29161 1,597;1273,1381;1730,1824;8369,8473;9140,9322
;13292,13453;14409,14573;23579,23754;25667,25796;26634,26770;28217,28388;29129,2
9774

38674 1785,29161 449,597;1273,1381;1730,1824;8369,8473;9140,93
22;13292,13453;14409,14573;23579,23754;25667,25796;26634,26770;28217,28388;29129
,29784

38674 1785,29161 449,597;1730,1824;8369,8473;9140,9322;13292,1

3453;14409,14573;23579,23754;25667,25796;26634,26770;28217,28388;29129,29784
 38674 1785,16840 484,1381;1730,1824;8369,8473;9140,9322;13292,
 13453;14409,14573;16640,16840
 38675 2462,5252 1,247;1221,1320;2304,3016;4835,5616
 38675 2462,5252 85,247;1118,1320;2304,3016;4835,5610
 38675 2462,5252 85,247;1118,1320;2304,3016;4835,5611
 38676 1,1136 1,85;201,503;660,983;1086,1755
 38676 208,1093 6,85;201,503;660,983;1086,1760
 38677 1,1136 1,85;201,503;660,983;1086,1755
 38677 208,1093 6,85;201,503;660,983;1086,1760
 38678 309,3810 1,38;266,417;2849,2963;3633,3702;3707,3775;3780
 ,3809
 38678 309,13087 1,38;266,417;2849,2963;3633,3814;5263,5345;937
 8,9429;12400,12449;13048,13146
 38678 309,3810 1,38;266,417;2849,2963;3633,3814;5263,5345;9378
 ,9429;12400,12449;14562,14825
 38679 1159,2425 1,142;1137,2784
 38679 1159,2425 1,144;1138,2784
 38680 1,177231 1,343;177166,177230
 38680 54177,54570 5,413,554,630
 38680 54177,54570 5,417,754,569
 38681 178,1434 1,555;1305,1615
 38681 178,750555 1,555;233797,233958;386564,386625;452904,4529
 97;454288,454399;516772,516847;525378,525453;527477,527647;529248,529339;547310,
 547420;551227,551332;553101,553183;558270,558339;564568,564723;598183,598292;609
 929,609997;618721,618807;625777,625853;667753,667846;683896,684019;688454,688678
 ;692855,693047;722771,722884;727724,727854;746101,746295;748251,748369;750305,75
 2943
 38681 178,750555 178,555;233797,233958;386564,386625;452904,45
 2997;454288,454399;516772,516847;525378,525453;527477,527647;529248,529339;54731
 0,547420;551227,551332;553101,553183;558270,558339;564568,564723;598183,598292;6
 09929,609997;614884,614892;618718,618807;625777,625853;636240,636413;667753,6678
 46;683896,684019;688454,688678;692855,693047;722771,722884;727724,727854;746101,
 746295;748251,748369;750305,750652
 38681 178,750555 178,555;233797,233958;386564,386625;452904,45
 2997;454288,454399;516772,516847;525378,525453;527477,527647;529248,529339;54731
 0,547420;551227,551332;553101,553183;558270,558339;564568,564723;598183,598292;6
 09929,609997;618721,618807;625777,625853;636240,636413;667753,667846;683896,6840
 19;688454,688678;692855,693047;722771,722884;727724,727854;746101,746295;748251,
 748369;750305,752940
 38681 178,750555 178,555;233797,233958;386564,386625;452904,45
 2997;454288,454399;516772,516847;525378,525453;527477,527647;529248,529339;54731
 0,547420;551227,551332;553101,553183;558270,558339;564568,564723;598183,598292;6
 09929,609997;618721,618807;625777,625853;660182,660277;663247,663333;667753,6678
 46;683896,684019;688454,688678;692855,693047;722771,722884;727724,727854;746101,
 746295;748251,748369;750305,752943
 38681 178,750555 178,555;233797,233958;386564,386625;452904,45
 2997;454288,454399;516772,516847;525378,525453;527477,527647;529248,529339;54731
 0,547420;551227,551332;553101,553183;558270,558339;564568,564723;598183,598292;6
 09929,609997;618721,618807;625777,625853;663247,663333;667753,667846;683896,6840

19;688454,688678;692855,693047;722771,722884;727724,727854;746101,746295;748251,
748369;750305,750652

38681 178,750555 178,555;233797,233958;386564,386625;452904,45
2997;454288,454399;516772,516847;525378,525453;527477,527647;529248,529339;54731
0,547420;551227,551332;553101,553183;558270,558339;564568,564723;598183,598292;6
09929,609997;618721,618807;625777,625853;667753,667846;683896,684019;685661,6857
83;688454,688678;692855,693047;722771,722884;727724,727854;746101,746295;748251,
748369;750305,750554

38681 178,750555 178,555;233797,233958;386564,386625;452904,45
2997;454288,454399;516772,516847;525378,525453;527477,527647;529248,529339;54731
0,547420;551227,551332;553101,553183;558270,558339;564568,564723;598183,598292;6
09929,609997;618721,618807;625777,625853;667753,667846;683896,684019;688454,6886
78;692855,693047;722771,722884;727724,727854;746101,746295;748251,748369;750305,
752943

38682 34,36476 1,268;24761,24870;25708,25870;25878,25885;28788
,28834;30039,30103;31756,32023;34771,34818;36367,37129

38682 34,36476 4,268;24761,24870;25708,25869;28791,28834;30039
,30103;31756,32023;34771,34818;36367,37129

38683 3259,3658 1,279;1632,1748;3226,3676

38683 3259,3658 76,704;925,1748;3226,3673

38684 4034,18655 1,366;3843,4135;8743,8814;8971,9093;10709,107
65;12726,12826;13978,14112;15402,15471;15561,15663;15780,15845;17242,17391;17479
,17571;18258,18332;18590,18743

38684 4034,18655 3966,4135;8743,8814;8971,9093;10709,10765;127
26,12826;13978,14112;15402,15471;15561,15663;15780,15845;17242,17391;17479,17571
,18120,18332;18590,18743

38684 4034,18655 3966,4135;8743,8814;8971,9097;10713,10765;127
26,12826;13978,14112;15402,15471;15561,15663;15780,15845;17242,17391;17479,17571
,18120,18332;18590,18743

38685 219,67580 1,227;26969,27076;28887,29006;33464,33518;3923
3,39328;49188,49279;51539,51619;67544,67608;74308,74557

38685 219,67580 1,227;26969,27076;28887,29006;33464,33518;3923
3,39328;49188,49279;51539,51619;67544,67608;74309,74557

38685 219,67580 4,227;26969,27076;28887,29006;33464,33518;3923
3,39328;49188,49279;51539,51619;67544,67608;74309,74562

38686 1739,8642 1,206;1729,1888;1967,2129;4023,4247;6797,6921;
8437,8534;8611,8953

38686 1739,8642 1,206;1729,1888;1967,2129;4023,4247;6797,6921;
8437,8534;8611,8955

38686 4101,8721 1,206;1729,1888;1967,2129;4023,4247;6797,6921;
8437,8534;8611,8955

38687 12281,39358 1,126;10033,10079;12264,12435;12687,12724;20
498,20581;21267,21370;30043,30116;35307,35374;36512,36623;37393,37483;37657,3774
2;38171,38258;38407,38557;39269,39627;41431,41747

38687 107,39358 7,126;10034,10079;12265,12435;12687,12724;2049
8,20581;21267,21370;30043,30116;35307,35374;36512,36623;37393,37483;37657,37742;
38171,38258;38407,38557;39269,39626;41431,41747

38688 281,52718 1,284;33526,33598;36178,36271;38808,38949;5248
5,52577;52582,52650;52656,55956

38688 242,52718 1,284;33526,33598;36178,36271;38808,38949;5248

5,55956
 38688 242,52718 1,284;33526,33598;36178,36271;38808,38949;5248
 5,55959
 38688 281,52718 236,284;33526,33598;38813,38949;52485,52858
 38688 56,422 55,954;3225,3450
 38689 40746,157546 1,116;40719,40798;47626,47811;48612,48645;6
 2293,62384;63674,63757;67968,68143;73224,73340;76260,76368;79505,79611;82030,821
 07;83162,83341;84553,84669;86122,86214;87496,87669;92487,92632;94714,94728;95001
 ,95182;98054,98169;98728,98855;100368,100468;108720,108841;114802,114888;116045,
 116268;116720,116874;124613,124761;147739,147913;155324,155446;157014,158034
 38689 40761,157546 1,116;40719,40798;47626,47811;48612,48645;6
 2293,62384;63674,63757;67968,68143;73224,73340;76260,76368;79505,79611;82030,821
 07;83162,83341;84553,84669;86122,86214;87496,87669;92487,92632;94714,94728;95001
 ,95182;98054,98169;98728,98855;100368,100468;108720,108841;114802,114888;116045,
 116268;116720,116874;124613,124761;147739,147913;155324,155446;157014,158034
 38689 78519,116804 78482,78688;79505,79611;82030,82107;83162,8
 3341;87496,87669;92487,92632;95001,95182;98054,98169;98728,98855;100368,100468;1
 08720,108841;114802,114888;116045,116268;116720,116874;124613,124761;147739,1479
 13;155324,155446;157014,158034
 38690 523,15069 1,890;8236,8299;14910,15956
 38691 30202,84118 1,91;30197,30396;53126,53248;69362,69491;726
 01,72782;74097,74216;77110,77214;79103,79248;82500,82557;82670,82915;83998,86407
 38692 8539,9094 1,844;8439,9619
 38692 8539,9094 84,929,606
 38692 8539,9094 8496,9358;9442,9609
 38693 833,23450 1,119;818,891;2936,3015;4190,4309;4591,4684;55
 95,5701;5799,5863;13038,13095;13724,13810;18187,18288;20585,20659;23412,23768
 38693 833,23450 738,891;2936,3015;4190,4309;4591,4684;5595,570
 1;5799,5863;13038,13095;13724,13810;18187,18288;20585,20659;23412,23768
 38693 833,23450 738,891;2936,3015;4190,4309;4591,4684;5595,570
 1;5799,5863;13038,13095;18187,18288;20585,20659;23412,23768
 38694 13,16031 1,124;6672,6703;9167,9274;12175,12298;12521,125
 90;15886,16487
 38695 101,35652 1,104;4180,4298;5452,5492;7261,7360;12725,1283
 8;13222,13309;16413,16543;17423,17502;18989,19056;19236,19328;20978,21184;24913,
 25061;25470,25601;28347,28476;34468,34645;35426,37028
 38695 53,35652 8,104;4180,4298;5452,5492;7261,7360;12725,12838
 ;13222,13309;16413,16543;17423,17502;18989,19056;19236,19328;20978,21184;24913,2
 5061;25470,25601;28347,28476;34468,34645;35426,35811
 38696 105081,364038 1,159;105071,105114;140789,140936;152945,1
 53241;163133,163316;194492,194690;198291,201468;205063,205184;258735,258810;2651
 79,265315;274778,275148;277898,277951;283924,284116;289083,289191;301519,301573;
 304102,304234;312638,312812;327380,327447;329940,330006;335149,335284;336651,336
 763;337368,337520;338437,338687;341352,341477;341591,341708;342433,342681;345771
 ,345847;346427,346608;346742,346824;349874,350068;354353,354511;354921,354991;35
 5451,355495;359583,359633;360407,360856;362853,363186;363989,368716
 38696 140788,364038 1,159;105071,105114;140789,140936;152945,1
 53241;163133,163316;194492,194690;198291,201468;205063,205184;258735,258810;2651
 79,265315;274778,275148;277898,277951;283924,284116;289083,289191;301519,301573;
 304102,304234;312638,312812;327380,327447;329940,330006;335149,335284;336651,336

763;337368,337520;338437,338687;341352,341477;341591,341708;342433,342681;345771
,345847;346427,346608;346742,346824;349874,350068;354353,354511;354921,354991;35
5451,355495;359583,359633;360407,360856;362853,363186;363989,368716
38696 105081,364038 1,159;105071,105114;140789,140936;152945,1
53241;163133,163316;194492,194690;198291,201468;205063,205184;258735,258810;2651
79,265315;274778,275148;281749,281814;283924,284116;289083,289191;301519,301573;
304102,304234;312638,312812;327380,327447;329940,330006;335149,335284;336651,336
763;337368,337520;338437,338687;341352,341477;341591,341708;342433,342681;345771
,345847;346427,346608;346742,346824;349874,350068;354353,354511;354921,354991;35
5451,355495;359583,359633;360407,360856;362853,363186;363989,368716
38696 140788,364038 1,159;105071,105114;140789,140936;152945,1
53241;163133,163316;194492,194690;198291,201468;205063,205184;258735,258810;2651
79,265315;274778,275148;281749,281814;283924,284116;289083,289191;301519,301573;
304102,304234;312638,312812;327380,327447;329940,330006;335149,335284;336651,336
763;337368,337520;338437,338687;341352,341477;341591,341708;342433,342681;345771
,345847;346427,346608;346742,346824;349874,350068;354353,354511;354921,354991;35
5451,355495;359583,359633;360407,360856;362853,363186;363989,368716
38696 304210,364038 296398,296459;301519,301573;304102,304234;
312638,312812;327380,327447;329940,330006;335149,335284;336651,336763;337368,337
520;338437,338687;341352,341477;341591,341708;342433,342681;345771,345847;346427
,346608;346742,346824;349874,350068;354353,354511;354921,354991;355451,355495;35
9583,359633;360407,360856;362853,363186;363989,368716
38696 140788,364038 76,159;105071,105114;140789,140936;152945,
153241;163133,163316;194492,194690;198291,201468;205063,205184;258735,258810;265
179,265315;274778,275148;277898,277951;283924,284116;289083,289191;301519,301573
;304102,304234;312638,312812;327380,327447;329940,330006;335149,335284;336651,33
6763;337368,337520;338437,338687;341352,341477;341591,341708;342433,342681;34577
1,345847;346427,346608;346742,346824;349874,350068;354353,354511;354921,354991;3
55451,355495;359583,359633;360407,360637;360642,360737;360740,360856;362853,3631
86;363989,365530
38697 159,145694 1,255;69314,69538;75486,75499;79624,79656;810
04,81036;82433,82486;87343,87453;90991,91068;92993,93037;93991,94044;94550,94603
;95726,95779;98720,98773;99732,99785;100656,100700;101194,101247;104326,104370;1
07670,107723;110879,110977;111493,111537;111650,111743;112995,113034;113266,1133
73;114706,114759;115108,115206;115730,115783;116493,116591;116700,116753;116845,
116898;118148,118201;118980,119033;120870,120914;121236,121334;122336,122443;122
737,122790;125551,125604;125815,125868;126286,126340;126745,126852;126961,127014
;127538,127591;128282,128443;129087,129194;130309,130416;131501,131554;133856,13
3963;134531,134584;136505,136612;136990,137043;138070,138177;140200,140491;14296
0,143147;144608,144847;145547,147248
38698 159,145694 1,255;69314,69538;75486,75499;79624,79656;810
04,81036;82433,82486;87343,87453;90991,91068;92993,93037;93991,94044;94550,94603
;95726,95779;98720,98773;99732,99785;100656,100700;101194,101247;104326,104370;1
07670,107723;110879,110977;111493,111537;111650,111743;112995,113034;113266,1133
73;114706,114759;115108,115206;115730,115783;116493,116591;116700,116753;116845,
116898;118148,118201;118980,119033;120870,120914;121236,121334;122336,122443;122
737,122790;125551,125604;125815,125868;126286,126340;126745,126852;126961,127014
;127538,127591;128282,128443;129087,129194;130309,130416;131501,131554;133856,13
3963;134531,134584;136505,136612;136990,137043;138070,138177;140200,140491;14296
0,143147;144608,144847;145547,147248

38699	12135,16208	1,93;11794,12765;14536,14739;15837,18040
38699	12135,16208	27,93;11794,11917;12113,12765;14536,14739;15837,18040
38700	165,113146	1,473;49183,49398;110825,110875;112576,116212
38700	165,113146	1,473;49183,49398;110825,110875;112576,116220
38700	114954,115251	29067,29449;29937,30014;49183,49398;110825,110875;112576,115765
38701	12552,13394	12552,12782;12788,12808;13046,13393
38701	295,19480	1,321;586,610;2244,2323;12380,13900;19453,20755
38702	2,98028	1,127;2929,2961;4406,4528;4955,5019;6922,7005;11321,11433;11863,11923;12148,12223;12803,12932;15556,15621;16953,17069;48880,49026;97972,98165
38703	2,98028	1,127;2929,2961;4406,4528;4955,5019;6922,7005;11321,11433;11863,11923;12148,12223;12803,12932;15556,15621;16953,17069;48880,49026;97972,98165
38704	80,69589	1,148;4898,4938;34215,34318;39263,39327;40417,40538;46248,46316;47818,47883;49749,49943;51182,51275;52392,52520;55208,55254;56650,56796;58376,58576;64747,65290;68332,70381
38704	80,69589	1,148;4898,4938;34215,34318;39263,39327;40417,40538;46248,46316;47818,47883;49749,49943;51182,51275;52392,52520;55208,55254;56650,56796;58376,58576;64747,65290;68332,70382
38704	30171,65477	30030,30313;34215,34318;39263,39327;40417,40538;46248,46316;47818,47883;49749,49943;51182,51275;52392,52520;55208,55254;56650,56796;58376,58576;64747,65650
38704	52453,69589	80,148;4898,4938;34215,34318;39263,39327;40417,40538;46248,46316;47818,47883;49749,49943;51182,51275;52392,52520;56650,56796;58376,58576;64747,65290;68332,70219
38705	41,895651	1,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8854;19313,19527;22572,22680;22848,23051;895606,895651
38705	362504,378465	362504,362569;365241,365298;365504,365599;366099,366152;366244,366422;366500,366642;367221,367289;367374,367536;367702,369928;370404,370561;370649,370697;371122,371754;375914,375983;376099,376154;376250,376373;376656,376755;377963,378036;378139,378253;378366,378634
38705	41,513615	42,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8759;9628,9743;19313,19527;22572,22680;22848,23051;513576,513615
38705	41,647322	42,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8759;9628,9743;19313,19527;22572,22680;22848,23051;647310,647322
38705	41,821200	42,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8759;9628,9743;19313,19527;22572,22680;22848,23051;821191,821200
38705	47,641523	48,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8800;9663,9743;19313,19527;22572,22680;22848,23051;641484,641523
38706	697,169944	1,220;475,1299;42770,42866;47659,47774;58999,59079;101408,101502;144880,145003;148415,148508;155870,155985;159879,160098;161185,161357;169335,169450;169817,171658
38706	697,169944	1,220;475,1299;42770,42866;47659,47774;58999,59079;101408,101502;144880,145003;148415,148508;155870,155985;159879,160098;161185,161357;169335,169450;169817,171660
38707	550,2997	12,260;513,1101;2220,3048
38707	550,2997	1,260;513,1101;2220,6960

38708 0,21513 1,105;5581,5746;6132,6244;9518,9695;10845,11009;
13080,13341;21234,21797
38708 10870,21513 6,105;444,556;5581,5746;6132,6244;9645,9695;
10845,11009;13080,13341;21234,22097
38708 5,21513 6,105;5581,5746;6132,6244;9518,9695;10845,11009;
13080,13341;21234,22097
38708 13219,21513 6205,6244;9644,9695;10844,11009;13079,13189;
13191,13341;21234,21791
38709 1817,59151 1,214;747,803;1672,2021;3738,3900;5756,5806;1
2307,12389;12594,12725;13579,13672;14761,14838;16230,16273;19980,20117;24030,241
19;24974,25087;27329,27443;35389,35516;35803,35919;38734,38835;40045,40200;41423
,41556;42568,42621;42891,43038;46413,46532;59047,59151;60852,62494
38709 1817,59151 15,214;747,803;1672,2021;3738,3900;5756,5806;
12307,12389;12594,12725;13579,13672;14761,14838;16230,16273;24030,24119;24974,25
087;27329,27443;35389,35516;35803,35919;38734,38835;40045,40200;41423,41556;4256
8,42621;42891,43038;46413,46532;59047,59151;60852,62239
38709 1817,60863 3,214;747,803;1672,2021;3738,3900;5756,5806;1
2307,12389;12594,12725;13579,13672;14761,14838;16230,16273;19980,20117;24030,241
19;24974,25087;27329,27443;35389,35516;35803,35919;38734,38835;40045,40200;41423
,41556;42568,42621;42891,43038;46413,46532;59047,59151;60852,62259
38710 1817,59151 1,214;747,803;1672,2021;3738,3900;5756,5806;1
2307,12389;12594,12725;13579,13672;14761,14838;16230,16273;19980,20117;24030,241
19;24974,25087;27329,27443;35389,35516;35803,35919;38734,38835;40045,40200;41423
,41556;42568,42621;42891,43038;46413,46532;59047,59151;60852,62494
38710 1817,59151 15,214;747,803;1672,2021;3738,3900;5756,5806;
12307,12389;12594,12725;13579,13672;14761,14838;16230,16273;24030,24119;24974,25
087;27329,27443;35389,35516;35803,35919;38734,38835;40045,40200;41423,41556;4256
8,42621;42891,43038;46413,46532;59047,59151;60852,62239
38710 1817,60863 3,214;747,803;1672,2021;3738,3900;5756,5806;1
2307,12389;12594,12725;13579,13672;14761,14838;16230,16273;19980,20117;24030,241
19;24974,25087;27329,27443;35389,35516;35803,35919;38734,38835;40045,40200;41423
,41556;42568,42621;42891,43038;46413,46532;59047,59151;60852,62259
38711 299,875 14,145
38712 2241,24020 1,74;2239,2444;4455,4639;6178,6245;10275,1040
8;11322,11517;13286,13443;14497,14580;17193,17291;18766,18879;21194,21316;22775,
22948;23930,24342
38712 2241,24020 37,74;2239,2444;4455,4639;6178,6245;10275,104
08;11322,11517;13286,13443;14497,14580;17193,17291;18766,18879;21194,21316;22775
,22948;23930,24344
38713 1465,6183 1,1776;2550,3114;3910,4092;4876,6321
38713 1513,6183 1,1776;2550,3114;3910,4092;4876,6321
38714 10697,28179 10,135;10675,10796;17099,17206;22058,22191;2
4934,24980;26083,26147;27215,27281;28125,28159;28162,28256;30427,30498;32551,330
15
38714 10697,32705 1,135;10675,10796;17099,17206;22058,22191;24
934,24980;26083,26147;27215,27281;28125,28256;30427,30498;32551,33015
38714 10697,28179 1153,1257;10675,10796;17099,17206;22058,2219
1;24934,24980;26083,26147;27215,27281;28125,28256;30427,30498;32551,33015
38715 1839,22381 1,730;1832,1976;9477,9570;9683,9881;11298,114
19;11509,11682;12822,12982;14078,14189;19264,19443;20442,20540;20902,21045;22301

,22915

38715 689,14140 1,730;9477,9570;9683,9881;11298,11419;11509,11
682;14078,14189;19264,19443;20442,20540;20902,21045;22301,22915

38715 1839,22381 63,730;1832,1976;9477,9570;9683,9881;11298,11
419;11509,11682;12822,12982;14078,14189;19264,19443;20442,20540;20902,21045;2230
1,22917

38715 1839,14140 63,730;1832,1976;9477,9570;9683,9881;11298,11
419;11509,11682;14078,14189;19264,19443;20442,20540;20902,21045;22301,22917

38715 689,22381 63,730;9477,9570;9683,9881;11298,11419;11509,1
1682;12822,12982;14078,14189;19264,19443;20442,20540;20902,21045;22301,22917

38715 689,14140 63,730;9477,9570;9683,9881;11298,11419;11509,1
1682;14078,14189;19264,19443;20442,20540;20902,21045;22301,22915

38716 1743,14468 1,146;1339,1836;7262,7313;7866,7963;8418,8563
;8653,8748;8834,8964;9134,9242;9618,9726;9896,9990;10474,10735;10854,10975;11067
,11127;11241,11332;11585,11695;11787,11888;12020,12158;12293,13768;13857,14079;1
4377,15285

38716 1743,14468 1,146;1339,1836;7262,7313;7866,7963;8418,8563
;8653,8748;8834,8964;9134,9242;9618,9726;9896,9990;10474,10735;10854,10975;11067
,11127;11241,11332;11585,11695;11787,11888;12020,12158;12293,13768;13857,14079;1
4377,15286

38717 124662,146082 124536,124884;127615,127683;130327,130361;
137890,137990;140577,140612;143918,143969;144606,146383

38717 1,146082 1,48;51,217;124697,124884;125254,125322;127615,
127683;130327,130361;137890,137990;140577,140612;143918,143969;144606,146389

38718 126,21597 1,349;3087,3155;5806,5840;13407,13507;16096,16
131;19436,19487;20122,21899

38719 127,21560 1,349;3080,3148;5787,5821;13358,13458;16045,16
080;19394,19445;20084,21861

38719 127,21560 1,349;719,787;5787,5821;13358,13458;16045,1608
0;19394,19445;20084,21861

38719 30213,31989 30213,30279;31855,31988

38720 5836,31954 1,205;5759,5942;12991,13100;15540,15647;16742
,16891;22409,22519;25631,25711;27185,27367;31775,34325

38721 1600,1918 1,200;1495,2375

38722 72,34810 1,347;18628,18690;21554,21749;27560,27696;34517
,34579;34660,35373

38722 72,34810 1,347;18628,18690;21554,21749;27560,27696;34517
,34579;34660,35377

38722 72,27712 1,347;18628,18690;21554,21749;27560,27834

38723 2,36353 1,492;25463,25594;36349,38357

38723 149,36353 7,348;355,492;25463,25594;36349,38357

38724 197,95581 1,269;52386,52495;68738,68863;81654,81760;9450
4,94685;95417,98911

38725 87,9922 1,207;4060,4237;4323,4530;4744,4871;5096,5364;54
53,5772;6473,6563;6652,6775;7016,7152;7509,7687;7757,7903;9181,9297;9625,10048

38726 2,83738 1,1041;14664,14791;16734,16855;28436,28636;32706
,32799;33631,33681;35171,35358;42627,42736;44232,44301;46731,46808;55505,55645;5
7678,57826;74949,75126;76652,76693;79020,79137;80344,80589;82726,82812;83706,858
15

38727 8,2682 1,200;763,5005

38728 6071,11639 1,151;5962,6426;6829,7258;9446,9638;10352,10536;10973,12180

38729 7625,54435 1,51;689,768;2657,2793;7503,8129;9531,9833;12246,12351;12388,12392;34102,34204;35752,35868;37592,37971;39173,39338;40252,40393;42256,42378;44782,44873;45713,45779;49485,49617;50524,50632;51473,51591;52139,52355;54251,56402;56414,56544

38729 7625,54435 1,51;689,768;2657,2793;7503,8129;9531,9833;12246,12364;34110,34204;35752,35868;37592,37971;39173,39338;40252,40393;42256,42378;44782,44873;45713,45779;49485,49617;50524,50632;51473,51591;52139,52355;54251,56544

38729 7625,54435 34,51;689,768;7503,8129;9531,9833;12246,12364;34110,34204;35752,35868;37592,37971;39173,39338;40252,40393;42256,42378;44782,44873;45713,45779;49485,49617;50524,50632;51473,51591;52139,52355;54251,56541

38729 37728,54386 687,768;7503,8129;9531,9833;12246,12351;34106,34204;35752,35868;37592,37971;39173,39338;40252,40393;42256,42378;44782,44873;45713,45779;49485,49617;50524,50610;50615,50632;51473,51544;51547,51591;52139,52355;54251,54354;54357,54808

38730 807,6242 1,90;779,1138;3411,3677;5379,5602;5949,5973;6124,6874

38730 807,6242 1,90;779,1138;3411,3677;5379,5624;6124,6874

38730 56,5650 55,90;3411,3677;5379,7900

38731 8339,52736 1,24;8071,8374;19660,19881;20288,20423;20755,20897;21438,21561;21675,21790;24586,24741;25922,26030;26921,27050;37134,37204;41409,41585;45213,45372;46796,47010;52497,53192

38732 833,23450 1,119;818,891;2936,3015;4190,4309;4591,4684;5595,5701;5799,5863;13038,13095;13724,13810;18187,18288;20585,20659;23412,23768

38732 833,23450 738,891;2936,3015;4190,4309;4591,4684;5595,5701;5799,5863;13038,13095;13724,13810;18187,18288;20585,20659;23412,23768

38732 833,23450 738,891;2936,3015;4190,4309;4591,4684;5595,5701;5799,5863;13038,13095;18187,18288;20585,20659;23412,23768

38733 104,9140 1,399;8962,9733

38734 3823,36052 1,95;870,1154;1678,1733;3809,4032;5141,5241;5848,5956;8435,8529;9187,9291;11955,12061;15555,15658;26156,26224;30797,30858;33882,34001;35234,35336;35905,38454

38734 3823,36052 46,95;870,1154;1678,1733;3809,4032;5141,5241;5848,5956;8435,8529;9187,9291;11955,12061;15555,15658;26156,26224;30797,30858;33882,34001;35234,35336;35905,38450

38735 272,5392 1,97;242,302;723,883;966,1052;2909,2996;4490,4606;4683,4849;5005,5187;5275,5410;5508,5912

38736 126,12265 1,307;809,1295;2270,2469;4770,5022;9766,9878;10400,10557;12122,12503

38736 126,9875 36,307;809,1295;2270,2469;9766,9878;10400,10557;12122,12503

38736 126,2298 47,307;2270,2469;4770,5022;9766,9878;12122,12503

38736 126,2298 47,307;2270,2469;9766,9878;10400,10557;12122,12503

38736 126,2298 47,307;2270,2469;9766,9878;12122,12503

38736 126,12265 47,307;809,1295;2270,2469;4770,5022;9766,9878;10400,10557;12122,12503

38736	126,12348	47,307;809,1295;2270,2469;4770,5022;9766,9878; 12122,12503
38736	126,9875	47,307;809,1295;2270,2469;9766,9878;10400,10557 ;12122,12503
38736	126,9875	47,307;809,1295;2270,2469;9766,9878;12122,12503
38736	126,12348	97,307;809,1295;2270,2469;4770,5022;9766,9878; 12122,12434
38737	272,106346	1,377;38344,38616;73324,73448;77311,77472;789 18,79054;82215,82383;83911,84008;84372,84435;86559,86702;87919,88002;94638,94791 ;106236,107213
38737	272,106346	1,377;38344,38616;73324,73448;77311,77472;789 18,79054;82215,82383;83911,84008;84372,84435;86559,86702;87919,88002;94638,94791 ;106236,107215
38737	272,133940	1,377;38350,38616;73324,73448;77311,77472;789 18,79054;82215,82383;83911,84008;84372,84435;86559,86702;87919,88002;94638,94791 ;133818,134102
38738	151668,152790	1,253;37053,37150;48631,48746;80982,81070; 151354,153146
38738	151677,152790	81003,81070;151354,154230
38739	395,118014	1,447;71979,72055;73308,73382;113615,113743;1 17889,119795
38739	71980,118014	1,447;71979,72055;73308,73382;113615,113743 ;117889,119795
38739	395,118014	1,447;71979,72055;73308,73382;94009,94048;953 87,95439;113615,113743;117889,119795
38739	71980,118014	1,447;71979,72055;73308,73382;94009,94048;9 5387,95439;113615,113743;117889,119795
38739	395,118014	78,447;71979,72055;73308,73382;94009,94048;95 387,95439;113615,113743;117889,118206;122167,122213
38740	3239,26798	1,140;3086,3564;8064,8200;8675,8788;13089,132 63;26788,26797
38740	3239,14363	1,140;3086,3564;8064,8200;8675,8788;13105,132 63;13399,13574;14228,15100
38740	3239,14521	31,140;3086,3564;8064,8200;8675,8788;13105,13 263;13399,13574;14344,15123
38741	1,8710	1,171;243,434;954,1053;1137,1260;1342,1537;1629,1 794;1885,2023;2110,2177;2320,2585;2713,2825;2915,3085;3278,3415;3510,3648;3774,3 886;4094,4245;4844,5004;5120,5221;5298,5472;6640,6824;6904,7050;7133,7267;7435,7 584;7707,7864;7957,7996;8002,8119;8209,8306;8563,8759
38741	1,8710	1,171;243,434;954,1053;1137,1260;1342,1537;1629,1 794;1885,2023;2110,2177;2320,2585;2713,2825;2915,3085;3278,3415;3510,3648;3774,3 886;4094,4245;4844,5004;5120,5221;5298,5472;6640,6824;6904,7050;7133,7267;7435,7 584;7707,7864;7957,8119;8209,8306;8563,8759
38741	1439,8236	1,171;243,434;954,1053;1137,1260;1342,1537;162 9,1794;1885,2023;2110,2177;2320,2611;3086,3098;3403,3419;3510,3648;3774,3886;409 4,4245;4844,5004;5120,5221;5298,5472;6640,6824;6904,7050;7133,7267;7435,7584;770 7,7864;7957,7996;8002,8235
38741	7207,8710	1439,1537;1629,1794;1885,2023;2110,2624;3403,3 415;3510,3648;3774,3886;4094,4245;4844,5004;5120,5221;5298,5472;6640,6824;6904,7 050;7133,7267;7435,7864;7957,7996;8002,8119;8209,8306;8563,8759

38742 30,16571 1,156;4211,4336;5725,5873;8287,8457;9476,9887;1
 0416,10520;14802,15031;16176,16351;16561,17876
 38742 30,16571 1,156;4211,4336;5725,5873;8287,8457;9476,9887;1
 0416,10520;14802,15031;16176,16351;16561,17877
 38742 4240,16571 3390,3665;4211,4336;5725,5873;8287,8457;9476,
 9887;10416,10520;14802,15031;16176,16351;16561,17877
 38743 52,13605 1,114;1723,1833;2145,2216;3479,3559;3888,3973;4
 060,4221;4560,4663;5023,5198;5284,5441;6186,6270;6596,6743;6926,7062;7265,7477;7
 725,7904;9334,9416;9541,9615;9859,9942;10021,10192;10709,10813;10894,11085;11385
 ,11573;11690,11829;11914,12148;12280,12434;12520,12580;12680,12808;12892,12998;1
 3082,13187;13323,13388;13470,13901
 38744 49,430 1,439;12855,13226
 38744 49,430 1,523
 38745 211,4565 1,234;509,566;571,645;1404,1579;3518,3603;4423,
 4675
 38745 211,4565 1,234;509,645;1404,1579;3518,3603;4423,4675
 38746 1,49141 1,87;30642,30734;31692,31852;33450,33690;34590,3
 4752;35774,35961;42131,42235;43873,43974;45422,45625;48922,50936
 38747 14237,34072 1,287;14117,16033;21544,21732;21830,22061;22
 202,22438;22794,23819;24041,24234;24443,24539;24640,24797;24987,25851;25939,2617
 8;26273,26398;27020,27229;28183,29061;29185,29298;29470,29681;29776,29930;30123,
 30253;30369,30652;30982,31120;31460,34523
 38747 14237,34072 226,287;14117,16033;21544,21732;21830,22061;
 22202,22438;22794,23819;24041,24234;24443,24539;24640,24797;24987,25851;25939,26
 178;26273,26398;27020,27229;28183,29061;29185,29298;29470,29681;29776,29930;3012
 3,30253;30369,30652;30982,31120;31460,34523
 38748 864,2433 1,404;801,4159
 38749 990,134475 1,233;940,2073;3408,3447;8572,8717;28387,2844
 3;31770,31930;66683,66835;70287,70416;73642,73716;96867,96956;104854,105008;1193
 68,119503;119508,119581;132118,132185;133722,133826;134333,135550
 38749 990,134475 403,517;940,2073;3408,3447;8572,8717;28387,28
 443;31770,31930;66683,66835;70287,70416;73642,73716;96867,96956;104854,105008;11
 9368,119503;119508,119581;132118,132185;133722,133826;134333,135550
 38749 990,134475 403,517;940,2073;3408,3447;8572,8717;28387,28
 443;31770,31930;66683,66835;70287,70416;73642,73716;96867,96956;104854,105008;11
 9368,119581;132118,132185;133722,133826;134333,135550
 38750 349,17000 1,703;926,1007;11531,11721;12593,12689;14191,1
 4353;14954,15139;15870,15960;16157,16280;16780,17227
 38750 541,17000 1,703;926,1007;11531,11721;12593,12689;14191,1
 4353;14954,15263;15811,15960;16157,16280;16780,17207
 38750 349,15338 1,703;926,1007;11531,11721;12593,12689;14191,1
 4353;14954,15960;16157,16280;16780,17227
 38750 11586,17000 31,1007;11531,11721;12593,12689;14191,14353;
 14954,15263;15811,15960;16157,16280;16780,17208
 38750 541,17000 345,703;926,1007;11531,11721;12593,12689;14191
 ,14353;14954,15263;15811,15960;16157,16280;16780,17207
 38751 4057,101515 1,25;4044,4158;41737,41776;45153,45232;49796
 ,49871;59786,59878;62737,62769;64062,64156;70323,70392;82492,82571;85551,85608;8
 9839,89989;90402,90499;97854,97924;100116,100200;101378,102854
 38751 4057,101515 4034,4158;41737,41776;45153,45232;49796,4987

1;59786,59878;62737,62769;64062,64156;70323,70392;82492,82571;85551,85608;89839,89989;90402,90499;97854,97924;100116,100200;101378,103000

38751 4057,101515 4044,4158;41737,41776;45153,45232;49796,4987

1;59786,59878;62737,62769;64062,64156;70323,70392;82492,82571;85551,85608;89839,89989;90402,90499;97854,97924;100116,100200;101378,103000

38752 0,8890 1,12;8401,8643;8646,8837;8843,8890

38752 8862,15898 8358,8903;9583,9823;10219,10328;10453,10583;1185,11492;12650,12830;12931,13072;15138,15256;15714,16059

38752 8862,15898 8379,8903;9583,9823;10219,10328;10453,10583;1185,11492;12650,12830;12931,13072;15138,15256;15714,16052

38753 2,42729 1,59;11036,11176;13797,13875;14534,14616;14732,14861;16757,16845;17629,17730;22712,22936;25125,25199;26123,26225;27697,27794;32141,32248;32631,32727;33501,33596;36114,36219;37217,37304;39611,39687;41860,42052;42634,44654

38753 11,42729 2,59;11036,11176;13797,13875;14534,14616;14732,14861;16757,16845;17629,17730;22712,22936;25125,25199;26123,26225;27697,27794;32141,32248;32631,32727;33501,33596;36114,36219;37217,37304;39611,39687;41860,42052;42634,44374

38754 281,52718 1,284;33526,33598;36178,36271;38808,38949;52485,52577;52582,52650;52656,55956

38754 242,52718 1,284;33526,33598;36178,36271;38808,38949;52485,55956

38754 242,52718 1,284;33526,33598;36178,36271;38808,38949;52485,55959

38754 281,52718 236,284;33526,33598;38813,38949;52485,52858

38754 56,422 55,954;3225,3450

38755 456,7832 1,1185;2725,3071;3420,3552;4245,4412;4848,5134;5349,5535;5648,5823;6796,6971;7132,9121

38756 93,9578 1,143;4062,4424;7185,7410;8422,8505;8793,8897;9423,10156

38756 93,9578 54,143;4062,4424;7185,7410;8422,8505;8793,8897;9423,10212

38757 29941,283476 1,329;29837,29964;33666,33758;53505,53538;198781,198827;257925,257966;264439,264585;268079,268148;271648,271815;275568,275631;276614,276690;280280,280378;281453,281520;283344,285668

38757 188,283476 166,329;29837,29964;33666,33758;53505,53538;19484,119549;198781,198827;257925,257966;264439,264585;268079,268148;271648,271815;275568,275631;276614,276690;280280,280378;281453,281520;283344,285669

38757 188,140686 189,329;29837,29964;33666,33758;53505,53538;140600,140686

38758 5754,8697 1,225;5713,5926;6332,6449;6643,6761;6967,7024;7130,7180;7360,7452;7642,7770;7982,8088;8215,8368;8556,9657

38758 5754,8697 1,225;5713,5926;6332,6449;6643,6761;6967,7024;7130,7180;7360,7452;7642,7770;7982,8088;8215,8368;8556,9658

38758 5754,8697 1,225;5753,5926;6332,6449;6643,6761;6967,7024;7130,7180;7360,7452;7642,7770;7982,8088;8215,8368;8556,9657

38758 7007,8697 1,225;6332,6449;6643,6761;6967,7024;7130,7180;7360,7452;7642,7770;7982,8088;8215,8368;8556,9657

38758 7007,8697 1,225;6332,6449;6643,6761;6967,7024;7130,7180;7360,7452;7642,7770;7982,8088;8215,8368;8556,9658

38759	48,1227	1,221;529,597;942,1695
38759	20,1227	20,67;72,221;529,597;942,1695
38760	19093,21116	1,319;7425,7524;17706,17902;18260,18395;1879
		0,19199;19275,19405;19560,19685;19815,19967;20086,20195;20372,20498;20596,20702;
		20876,21185
38760	19093,21116	197,319;7425,7524;14222,14348;17706,17902;18
		260,18395;18790,19199;19275,19405;19560,19685;19815,19967;20086,20195;20372,2049
		8;20596,20702;20876,21185
38761	1214,25346	1,66;522,843;1191,1617;5160,5257;19342,19754;
		24192,24356;24821,25465
38761	1214,25346	959,1617;5160,5257;19342,19754;24192,24356;24
		821,26942
38762	39,13046	1,69;9950,10096;10456,10596;12888,14507
38762	9399,13046	9259,9423;9950,10096;10456,10596;12888,14507
38763	9679,10714	1,645;9617,13536
38763	9679,10714	231,645;9617,13526
38764	12,9044	1,76;6628,6781;6858,7111;7476,7532;8036,8131;836
		3,8439;8669,8828;8956,9468
38764	12,19748	4,76;6628,6781;6858,7111;7476,7532;8036,8131;83
		63,8439;12046,12118;12412,12548;12662,12793;12943,12983;13119,13161;13405,13459;
		13707,13837;14081,14164;14442,14479;15564,15699;16359,16495;16736,16958;17091,17
		208;17526,17663;17831,17935;18091,18270;18557,18723;19225,19411;19537,20028
38764	12,19748	6,76;6628,6781;6858,7111;7476,7532;8036,8131;83
		63,8439;12046,12118;12412,12548;12662,12796;12949,12983;13119,13161;13405,13459;
		13707,13837;14081,14164;14442,14479;15564,15699;16359,16495;16736,16958;17091,17
		208;17526,17663;17831,17935;18091,18270;18557,18723;19225,19411;19537,20035
38765	82961,101775	1,129;43262,43335;82830,83079;88847,91206;1
		00521,100709;101551,103671
38765	82961,101775	26644,26944;43262,43335;82830,83079;88847,9
		1206;100521,100709;101551,103605
38765	88947,101775	88948,90282;101674,101775
38766	90415,174461	1,502;90396,90637;111342,111410;160925,1610
		47;167397,167510;172101,173324;174336,174460
38766	179034,236118	178887,180237;211752,211858;213375,213590;
		217175,217358;217989,218048;218170,218462;219948,220061;221937,222029;231763,231
		844;233915,234027;235923,236117
38766	179034,236244	178962,180237;211752,211858;213375,213590;
		217175,217358;217989,218048;218170,218462;219948,220061;221937,222029;231763,231
		844;233915,234027;235923,236112;236236,238579
38766	196784,211904	196700,198251;211752,212355
38766	218340,236118	218340,218417;221937,222029;231763,231844;
		233915,234027;235923,236117
38766	363,236342	362,502;90396,90637;111342,111410;160925,1610
		47;167397,167510;170434,170556;172101,173324;174336,174458;211752,211858;213375,
		213590;217175,217358;217989,218048;218170,218462;231763,231844;233915,234027;235
		923,236112;236337,237407
38766	90415,236342	366,502;90396,90637;111342,111410;160925,16
		1047;167397,167510;172101,173324;174336,174458;211752,211858;213375,213590;21717
		5,217358;217989,218048;218170,218462;231763,231844;233915,234027;235923,236112;2
		36337,237407

38766 90415,236244 54,503;90396,90637;111342,111410;160925,161
047;167397,167510;170434,170556;172101,173324;174336,174458;211752,211858;213375
,213590;217175,217358;217989,218048;218170,218462;219948,220061;221937,222029;23
1763,231844;233915,234027;235923,236112;236236,238579

38766 316,113818 55,502;90395,90637;111342,111410;113810,11619
5

38766 90415,113818 55,503;90396,90637;111342,111410;113810,116
195

38767 41481,44110 1,333;41375,41621;42811,49193

38768 405,26131 1,470;718,1068;11062,11119;12836,13087;13203,1
3263;16534,16664;16768,16887;17086,17199;17429,17542;17721,17834;17914,17960;180
48,18221;19505,19655;19736,19888;19967,20080;20386,20499;20596,20709;20937,21053
;21298,21325;21414,21499;22101,22214;22325,22440;22852,23094;23764,23895;25187,2
5343;25655,27086

38768 405,26131 1,470;718,1068;11062,11119;12836,13087;13203,1
3263;16534,16664;16768,16887;17086,17199;17429,17542;17914,17960;18048,18221;195
05,19655;19736,19888;19967,20080;20386,20499;20596,20709;20937,21053;21298,21325
;21414,21499;22101,22214;22325,22440;22852,23094;23764,23895;25187,25343;25655,2
7086

38769 41,895651 1,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8854;19
313,19527;22572,22680;22848,23051;895606,895651

38769 358832,359804 358512,359123;359565,360353

38769 41,513615 42,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8759;9
628,9743;19313,19527;22572,22680;22848,23051;513576,513615

38769 41,647322 42,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8759;9
628,9743;19313,19527;22572,22680;22848,23051;647310,647322

38769 41,821200 42,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8759;9
628,9743;19313,19527;22572,22680;22848,23051;821191,821200

38769 47,641523 48,416;489,592;3698,3855;7159,7327;8636,8800;9
663,9743;19313,19527;22572,22680;22848,23051;641484,641523

38770 48088,90317 1,613;35503,35586;48028,48204;62934,63037;68
037,68130;69007,69066;75840,75938;76213,76306;76701,76846;81328,81410;82537,8268
7;83242,83460;84020,84177;84513,84660;85862,85944;88775,88887;90168,91182

38771 67,13673 1,248;9868,10001;10288,10463;10744,10839;12617,
12689;13497,14280

38771 67,13673 67,234;5987,6000;9868,10001;10288,10463;10744,1
0839;12617,12689;13497,14280

38771 67,13673 67,234;5987,6000;9868,10001;10288,10463;12617,1
2689;13497,14281

38772 75,822 11,320

38772 75,822 51,319

38772 75,822 76,323;423,822

38773 75,822 11,320

38773 75,822 51,319

38773 75,822 76,323;423,822

38774 6027,11713 1,131;5944,6812;10728,10924;11452,11456;11591
,11712

38774 6027,11826 1,131;5944,6812;10728,10924;11585,11825

38774 6027,11713 1,131;5944,6812;10728,10924;11586,12155

38774 6027,10974 1,131;5944,6812;10728,11141

38775 33,10474 1,916;3146,3345;5494,5618;8620,11057
 38775 33,10474 34,916;3146,3345;5494,5618;8620,11161
 38775 9226,10474 9227,9645;9732,9735;9836,10474
 38776 90362,236191 1,450;90343,90584;111289,111357;160872,1609
 94;167344,167457;170381,170503;172048,173271;174283,174405;211699,211805;213322,
 213537;217122,217305;217936,217995;218117,218409;219895,220008;221884,221976;231
 710,231791;233862,233974;235870,236059;236183,238526
 38776 178981,236191 178909,180184;211699,211805;213322,213537;
 217122,217305;217936,217995;218117,218409;219895,220008;221884,221976;231710,231
 791;233862,233974;235870,236059;236183,238526
 38776 90362,113765 2,450;90343,90584;111289,111357;113757,1161
 42
 38776 90362,236289 313,449;90343,90584;111289,111357;160872,16
 0994;167344,167457;172048,173271;174283,174405;211699,211805;213322,213537;21712
 2,217305;217936,217995;218117,218409;231710,231791;233862,233974;235870,236059;2
 36284,237354
 38777 6263,15619 1,44;4906,5024;6250,6487;6605,6692;8238,8332;
 8426,8498;11781,11852;11964,12244;13325,13446;13742,13943;14689,14746;14861,1495
 6;15560,15951
 38777 2374,15619 2363,2640;4906,5024;6250,6487;6605,6692;8238,
 8332;8426,8498;11781,11852;11964,12244;13325,13446;13742,13943;14689,14746;14861
 ,14956;15560,15951
 38777 2467,15619 2368,2640;4906,5024;6250,6487;6605,6711;8254,
 8332;8426,8498;11781,11852;11964,12244;13325,13446;13742,13943;14689,14746;14861
 ,14956;15560,15937
 38778 76350,194509 1,236;76319,76378;78700,78792;80110,80173;9
 2566,92726;107665,107844;109332,109428;112819,112919;119444,119507;123396,123533
 ;125234,125349;129582,129844;132250,132399;132489,132629;138982,139069;139515,13
 9654;151862,151989;154900,155129;157329,157450;159951,159965;168496,168743;17143
 4,171593;175788,175993;176762,176844;181008,181174;184339,184384;187145,187266;1
 91828,191945;193962,194153;194508,196018
 38778 76350,245821 1,236;76319,76378;78700,78792;80110,80173;9
 2566,92726;107665,107844;109332,109428;112819,112919;119444,119507;123396,123533
 ;125234,125349;129582,129844;132250,132399;132489,132629;138982,139069;139515,13
 9654;151862,151989;154900,155129;157329,157450;159951,159965;168496,168743;17143
 4,171593;175788,175993;176762,176844;181008,181174;184339,184384;187145,187266;1
 91828,191945;193962,194153;214257,214378;216207,216313;222672,222855;224754,2248
 52;232875,233042;239764,239976;241071,241192;242562,242644;242960,243043;243808,
 243981;245673,246826
 38779 11679,26647 1,283;11383,11732;14062,14129;14699,14799;21
 026,21173;21801,22006;23898,24044;25433,25691;26397,27227
 38779 11679,30573 98,283;11383,11732;14062,14129;14699,14799;2
 1026,21173;21801,22006;23898,24044;25433,25691;26397,26524;30211,31056
 38780 35,4583 1,807;4561,4666;5063,5123;5274,5369;6168,6308;72
 39,7396;7519,7639;7904,7999;14422,14552;15476,16524
 38780 7248,15577 1,807;4561,4666;5063,5123;5274,5369;6168,6308
 ;7239,7396;7519,7639;7907,7999;14422,14552;15476,15521;15526,15576
 38780 35,15582 1,807;5063,5123;5274,5369;6168,6308;7239,7396;7
 519,7639;7907,7999;14422,14552;15476,16524
 38780 35,4583 35,807;4561,4666;5063,5123;5274,5369;6168,6308;6

580,6588;7239,7396;7519,7639;7904,7999;14422,14552;15476,17103;17442,17689
38780 7248,15582 6891,7396;7519,7639;7907,7999;14422,14552;154
76,16524
38781 1,49598 1,93;10524,10655;13697,13744;17083,17147;17758,1
7819;20464,20572;24720,25107;27154,27316;30999,31183;33727,33859;34725,34868;399
87,40109;49352,49597
38782 90,49662 1,182;10613,10737;10945,10951;17172,17236;17847
,17908;20553,20661;24809,25196;27243,27405;31088,31272;33816,33948;34814,34957;4
0076,40198;49441,49789
38782 90,49687 57,182;10613,10737;10871,10880;13786,13833;1717
2,17236;17847,17908;20553,20661;24809,25196;27243,27405;31088,31272;33816,33948;
34814,34957;40076,40198;49441,49637;49642,49686
38782 90,49662 69,182;10613,10737;10871,10880;13786,13833;1717
2,17236;17847,17908;20553,20661;24809,25196;27243,27405;31088,31272;33816,33948;
34814,34957;40076,40198;49441,49791
38782 90,49687 90,182;10613,10744;13786,13833;17172,17236;1784
7,17908;20553,20661;24809,25196;27243,27405;31088,31272;33816,33948;34814,34957;
40076,40198;49441,49686
38783 793,4596 1,938;1285,1399;2590,2718;2808,2881;3052,3185;3
277,3341;3688,3754;3902,3981;4210,4309;4540,4887
38783 793,4596 53,77;782,938;1285,1399;2590,2718;2808,2881;305
2,3185;3277,3341;3688,3754;3902,3981;4210,4309;4540,4886
38783 793,4596 779,938;1285,1399;2590,2718;2808,2881;3052,3185
;3277,3341;3688,3754;3902,3981;4210,4309;4540,4885
38784 11801,13897 1090,1215;11780,11968;12092,12203;13634,1522
0
38784 11801,13897 1,166;11780,11968;12092,12203;13634,15220
38785 7430,11127 1,174;7415,8403;10952,15595
38785 7430,11127 1,184;7415,8403;10952,15593
38785 7430,11127 1,184;7415,8403;10952,15595
38786 109384,185539 109385,109550;125021,125108;131251,131382;
137616,137702;145315,145413;148427,148537;168213,168286;170917,170994;171876,172
004;182675,182778;185219,185680
38786 182760,185539 109399,109550;131251,131382;137616,137702;
145315,145413;148427,148537;168213,168286;170917,170994;171876,172004;182675,182
778;185219,185719
38786 25445,60191 1,184;25436,25552;37535,37615;48188,48236;49
521,49578;54674,54765;55195,55335;57971,58106;59716,60625
38786 25418,60191 25198,25552;37535,37615;48188,48236;49521,49
578;54674,54765;55195,55335;57971,58106;59716,60625
38786 25418,185539 25419,25552;37535,37615;48188,48236;49521,4
9578;54674,54765;55195,55335;57971,58106;109401,109550;125021,125108;131251,1313
82;131950,132027;135429,135443;137616,137702;145315,145413;148427,148537;168213,
168286;170917,170994;171876,172004;182675,182778;185219,185719
38786 25418,185539 25419,25552;37535,37615;48188,48236;49521,4
9578;54674,54765;55195,55335;57971,58106;109401,109550;125021,125108;137616,1377
02;145315,145413;148427,148537;168213,168286;170917,170994;171876,172004;182675,
182778;185219,185660
38786 49541,185539 37533,37615;48188,48236;49521,49578;109401,
109550;125021,125108;131251,131382;137616,137702;145315,145413;148427,148537;168

213,168286;170917,170994;171876,172004;182675,182778;185219,185726
38786 54654,60191 53828,54765;55195,55335;57971,58106;59716,60
625
38786 182760,185539 75536,75571;109401,109550;131251,131382;13
7616,137702;145315,145413;148427,148537;168213,168286;170917,170994;171876,17200
4;182675,182778;185219,185726
38787 6798,29754 1,54;6738,7003;13166,13314;18620,18822;19267,
19455;21555,21698;27183,27276;29374,33425
38788 116,64765 1,234;36862,37263;38408,38581;38769,38933;3907
1,39184;39704,39847;43963,44151;44312,44466;46377,46484;48104,48219;48697,48845;
49583,49800;50818,50960;52114,52216;52484,52622;52732,52767;53114,53274;53376,53
443;54151,54251;54549,54691;60603,60717;60815,60978;61166,61274;61836,62074;6220
8,62376;62470,62619;62956,63075;63263,63442;64426,64452;64545,65850
38788 116,64765 74,234;36862,37263;38408,38581;38769,38933;390
71,39184;39704,39847;43963,44151;44312,44466;46377,46484;48104,48219;48697,48845
;49583,49800;50818,50960;52114,52216;52484,52622;52732,52767;53114,53274;53376,5
3443;54151,54251;54549,54691;60603,60717;60815,60978;61166,61274;61836,62074;622
08,62376;62470,62619;62956,63075;63263,63447;64431,64452;64545,64975
38789 204,124952 1,248;5168,5242;25576,25709;26840,26970;29517
,29726;34071,34192;50018,50123;69590,69781;74069,74266;79327,79430;114201,114337
;117515,117609;120513,120644;121193,121349;124657,125464
38790 127,11992 127,286;2610,2701;2957,3040;3120,3215;3838,398
6;4259,4352;4606,4812;4889,5152;7445,7530;9727,9838;10551,10708;10814,10911;1108
3,11129;11419,11508;11839,11991
38790 127,11992 1,286;2610,2701;2957,3040;3120,3215;3838,3986;
4259,4352;4606,4812;4889,5152;7445,7530;9727,9838;10551,10708;10814,10911;11083,
11129;11419,11508;11839,12229;12275,12761
38790 2420,11992 2420,2701;2957,3040;3120,3215;3838,3986;4259,
4352;4606,4812;4889,5137;7445,7530;9727,9838;10551,10708;10814,10911;11083,11129
;11419,11433;11438,11470;11476,11508;11839,11991
38790 2420,11992 2420,2701;2957,3040;3120,3215;3838,3986;4259,
4352;4606,4812;4889,5152;7445,7530;9727,9838;10551,10708;10814,10911;11083,11129
;11419,11508;11839,11991
38790 2420,11992 2420,2701;2957,3040;3120,3215;3838,3986;4259,
4352;4606,4812;4889,5152;7445,7530;9727,9838;10551,10708;10814,10911;11083,11129
;11839,11991
38790 2420,11514 2420,2701;2957,3040;3120,3215;3838,3986;4259,
4352;4606,4812;4889,5152;7445,7530;9727,9838;10551,10708;10814,10911;11419,11513
38791 364,91359 1,425;40386,40585;47398,47485;53005,53121;7244
1,72645;78452,78584;81454,81527;83038,83159;84288,84484;87505,88037;91152,91988
38791 40345,91359 39966,40585;47398,47485;53005,53121;72441,72
645;78452,78584;81454,81527;83038,83159;84288,84484;87505,88037;91152,91988
38792 2854,17511 15,44;2833,2888;3361,3738;6850,7155;8569,8835
;8982,9245;11695,11952;12157,12420;12516,12779;15643,15739;15865,15940;16416,165
34;16965,17049;17380,18169
38792 2,725 1,907;6436,8051
38792 2854,17511 23,44;2833,2888;3361,3738;6850,7155;8569,8835
;8982,9245;11695,11952;12157,12420;12516,12779;15643,15739;15865,15940;16416,165
34;16965,17049;17380,18173
38792 2854,17511 2855,2888;3361,3738;6850,7155;11695,11952;121

57, 12420; 12516, 12779; 15643, 15739; 15865, 15940; 16416, 16534; 16965, 17049; 17380, 17511
 38792 3686, 17511 3687, 3738; 6850, 7155; 8569, 8835; 8982, 9245; 11695
 , 11952; 12157, 12420; 12516, 12779; 15643, 15739; 16965, 17049; 17380, 17511
 38793 180, 50508 1, 1490; 17292, 17468; 20100, 20231; 20547, 20647; 207
 38, 20867; 22257, 22434; 22586, 22694; 23150, 23252; 28386, 28490; 30964, 31053; 31257, 31350
 ; 32329, 32483; 33074, 33225; 33878, 33977; 34071, 34210; 34975, 35142; 35220, 35310; 35516, 3
 5779; 35884, 36033; 36862, 36976; 39014, 39121; 39215, 39327; 40188, 40292; 40802, 40932; 412
 81, 41479; 43579, 43725; 43876, 44032; 44916, 45019; 45110, 45173; 46096, 46130; 46385, 46489
 ; 47036, 47199; 48244, 48391; 49596, 49736; 50128, 50202; 50391, 51644
 38793 1, 50508 1, 78; 81, 1490; 17292, 17468; 20100, 20231; 20547, 20647
 ; 20738, 20867; 22257, 22434; 22586, 22694; 23150, 23252; 28386, 28490; 30964, 31053; 31257, 3
 1350; 32329, 32483; 33074, 33225; 33878, 33977; 34071, 34210; 34975, 35142; 35220, 35310; 355
 16, 35779; 35884, 36033; 36862, 36976; 39014, 39121; 39215, 39327; 40188, 40292; 40802, 40932
 ; 41281, 41479; 43579, 43725; 43876, 44032; 44916, 45019; 45110, 45173; 46096, 46130; 46385, 4
 6489; 47036, 47199; 48244, 48391; 49596, 49736; 50128, 50202; 50391, 51644
 38794 1979, 3275 1, 49; 1588, 1681; 1803, 1859; 1973, 2086; 2340, 2465; 2
 653, 2783; 3045, 3105; 3110, 3120; 3220, 3327; 4308, 4385; 5537, 5620; 6612, 6772; 7167, 7206; 7
 315, 7416; 13729, 13896; 14409, 14554
 38794 987, 14460 844, 992; 1588, 1681; 1771, 1859; 1973, 2086; 2340, 246
 5; 2653, 2783; 3045, 3120; 3220, 3327; 4308, 4385; 5537, 5620; 6612, 6772; 7167, 7206; 7315, 741
 6; 13729, 13896; 14409, 14556
 38794 1588, 14460 898, 992; 1588, 1681; 1771, 1859; 1973, 2086; 2340, 24
 65; 2653, 2783; 3045, 3120; 3220, 3327; 4308, 4385; 5537, 5620; 6612, 6772; 7167, 7206; 7315, 74
 16; 13729, 13896; 14409, 15205
 38794 957, 13817 929, 992; 1588, 1681; 1771, 1859; 1973, 2086; 2340, 246
 5; 2653, 2783; 3045, 3120; 3220, 3327; 4308, 4385; 5537, 5620; 6612, 6772; 7167, 7206; 7315, 739
 8; 7403, 7416; 13729, 13896; 14409, 14698
 38795 18, 3742 1, 213; 3079, 3147; 3331, 3441; 3593, 3843
 38795 18, 3513 1, 213; 3079, 3147; 3331, 3843
 38796 1, 82516 1, 123; 33864, 33871; 65177, 65232; 65654, 65824; 66944,
 67066; 72466, 72582; 80214, 80438; 81104, 81252; 82120, 82296; 82414, 82910
 38796 1, 82516 1, 145; 18520, 18581; 19394, 19453; 20401, 20515; 27409,
 27551; 34030, 34155; 35639, 35728; 38179, 38314; 38699, 38811; 41566, 41656; 43218, 43341; 48
 102, 48151; 48725, 48873; 49369, 49491; 50148, 50281; 54379, 54573; 54981, 55098; 55579, 5565
 8; 61284, 61477; 63503, 63649; 64756, 65232; 65654, 65824; 66944, 67066; 72466, 72582; 80214,
 80438; 81104, 81252; 82120, 82296; 82414, 82910
 38797 319, 2196 1, 28; 313, 443; 630, 1327; 1740, 1868; 1947, 2029; 2109,
 2569
 38798 311, 8611 1, 676; 1789, 2056; 3166, 3312; 4526, 4602; 4711, 4874; 5
 307, 5941; 8159, 9569
 38799 52, 3260 1, 131; 3088, 3568
 38799 52, 3260 1, 131; 3088, 3571
 38800 31, 6561 1, 119; 1654, 1995; 2302, 2946; 3119, 3333; 3911, 4037; 42
 30, 4390; 4944, 5169; 6158, 7576
 38800 31, 6561 1, 119; 1855, 1995; 2302, 2946; 3119, 3333; 3911, 4037; 42
 30, 4390; 4944, 5169; 6158, 7576
 38801 3180, 28000 1, 106; 3126, 3584; 5077, 5174; 12380, 12792; 22937, 2
 3101; 27449, 29701
 38802 18150, 26778 1, 104; 18145, 18260; 21394, 21523; 24425, 24521; 25
 286, 25520; 26622, 27006; 27390, 28875

38803	346,1425	1,106;319,440;757,813;926,1054;1289,1662
38803	346,1425	1,440;757,813;926,1054;1289,1662
38803	346,1425	1,440;926,1054;1289,1662
38804	184785,215403	142876,143111;184779,184819;198087,198211; 205056,205979;213650,213832;214529,214630;215263,216393
38804	184785,215403	142884,143111;184779,184819;198087,198211; 205056,205979;213650,213832;214529,214630;215263,216393
38804	184785,215403	1,73;47526,47580;184779,184819;198087,1982 11;205056,205979;213650,213832;214529,214630;215263,216310
38804	184785,215403	24923,24951;184779,184819;198087,198211;20 5056,205979;213650,213832;214529,214630;215263,216393
38805	12135,16208	1,93;11794,12765;14536,14739;15837,18040
38805	12135,16208	27,93;11794,11917;12113,12765;14536,14739;15 837,18040
38806	27134,37771	1,162;27120,27209;30978,31053;31713,31785;35 165,35229;36161,36290;36361,36507;36696,36731;36838,37000;37655,37853
38807	2,36353	1,492;25463,25594;36349,38357
38807	149,36353	7,348;355,492;25463,25594;36349,38357
38808	4,2142	1,103;198,280;616,751;754,886;2057,3539
38808	397,2140	1,103;198,886;2057,3539
38808	397,3383	397,886;2057,2136;3311,3539
38809	8,2682	1,200;763,5005
38810	7404,11503	1,73;7370,7530;8505,8703;9192,9325;9441,9581; 9830,9973;10234,10336;10405,10555;10860,11049;11339,11682
38810	7524,11503	1,73;7371,7530;8505,8703;9192,9325;9441,9581; 9830,9973;10234,10336;10405,10555;10860,11049;11339,11682
38811	2,83738	1,1041;14664,14791;16734,16855;28436,28636;32706 ,32799;33631,33681;35171,35358;42627,42736;44232,44301;46731,46808;55505,55645;5 7678,57826;74949,75126;76652,76693;79020,79137;80344,80589;82726,82812;83706,858 15
38812	197,508495	1,339;68314,68442;302843,302919;367355,367429 ;372326,372410;372796,372899;441417,441491;453219,453244;460956,461009;469213,46 9346;471531,471691;472455,472716;480614,480780;484152,484266;485923,486035;50488 3,504948;508346,510251
38812	197,508495	198,339;68314,68442;302843,302919;367355,3674 29;372326,372410;372796,372899;441417,441491;453219,453244;460956,461009;469213, 469346;471531,471691;472455,472716;480614,480780;484152,484266;485923,486035;504 883,504948;508346,510254
38813	2462,5252	1,247;1221,1320;2304,3016;4835,5616
38813	2462,5252	85,247;1118,1320;2304,3016;4835,5610
38813	2462,5252	85,247;1118,1320;2304,3016;4835,5611
38814	110,1983	1,281;1325,1531;1624,2029
38814	110,1983	8,281;1325,1531;1624,2025
38815	1,1136	1,85;201,503;660,983;1086,1755
38815	208,1093	6,85;201,503;660,983;1086,1760
38816	855,15596	1,441;850,1097;6576,6778;9416,9588;11502,11562 ;14936,15135;15489,16015
38817	100,8687	1,221;3517,3589;7955,8062;8597,10751;10810,1082 0
38817	100,8687	21,221;3517,3589;5356,5481;7955,8062;8597,10882

38817	100,8687	43,221;3517,3589;5356,5481;7955,8062;8597,10224 ;10235,10797
38818	3522,5701	1,346;3517,3565;4821,6286
38818	3522,5701	50,346;3517,3565;4821,6286
38819	2243,8949	1,142;1372,1546;2230,2309;4102,4290;4391,4526; 5787,6058;7083,7259;8283,8389;8731,8782;8917,10266
38820	85,14251	1,126;3246,3402;3643,3710;5438,5568;5682,5829;5 924,6050;7452,7600;8353,8424;9960,10118;12287,12412;12824,12899;14228,14644
38820	85,14251	1,126;3246,3402;3643,3710;5438,5568;5682,5829;5 924,6050;7458,7600;8353,8424;9960,10118;12287,12412;12824,12899;14228,14645
38821	85,26248	1,109;11984,12047;16379,16410;16507,16584;22185 ,22290;24152,24245;26203,27117
38822	228,736	1,315;716,838;4230,4301;8839,8923;13097,13251;14 240,14332;14438,14746
38823	73,21665	1,292;1149,1257;1943,2079;9311,9465;10902,11011 ;12770,12955;14079,14227;14558,14746;19199,19389;19763,19883;20324,20521;20605,2 0736;21462,22261
38823	73,21665	22,292;1149,1257;1943,2079;9311,9465;10902,1101 1;12770,12955;14079,14227;14558,14746;19199,19389;19763,19883;20324,20521;20605, 20736;21462,22255
38824	590,20811	1,650;1138,1350;5810,5967;10971,11081;11167,11 517;14574,14669;14767,14865;16989,17144;19557,19734;19875,19886;19994,20049;2024 0,20356;20709,21331
38824	590,20811	539,650;1138,1350;5810,5967;10971,11081;11167, 11517;14767,14865;16989,17144;19557,19734;19994,20049;20240,20356;20709,21331
38824	590,20719	542,650;1138,1350;5810,5967;10971,11081;11167, 11517;14574,14669;14767,14865;16989,17144;19557,19734;19875,19886;19994,20049;20 240,20356;20709,21331
38825	74,10538	1,144;7140,7260;9536,12548
38825	74,10538	8,144;7140,7260;9536,12548
38826	110,1983	1,281;1325,1531;1624,2029
38826	110,1983	8,281;1325,1531;1624,2025

(表 17)

プローブIDU133	プローブID U95A
AFFX-HUMGAPDH/M33197_M_at	35905_s_at
AFFX-HUMGAPDH/M33197_5_at	35905_s_at
AFFX-HUMGAPDH/M33197_3_at	35905_s_at
AFFX-HSAC07/X00351_M_at	32318_s_at
AFFX-HSAC07/X00351_M_at	AFFX-HSAC07/X00351_3_at
AFFX-HSAC07/X00351_M_at	AFFX-HSAC07/X00351_3_st
AFFX-HSAC07/X00351_M_at	AFFX-HSAC07/X00351_5_at
AFFX-HSAC07/X00351_M_at	AFFX-HSAC07/X00351_5_st
AFFX-HSAC07/X00351_M_at	AFFX-HSAC07/X00351_M_at
AFFX-HSAC07/X00351_5_at	32318_s_at
AFFX-HSAC07/X00351_5_at	AFFX-HSAC07/X00351_3_at
AFFX-HSAC07/X00351_5_at	AFFX-HSAC07/X00351_3_st
AFFX-HSAC07/X00351_5_at	AFFX-HSAC07/X00351_5_at
AFFX-HSAC07/X00351_5_at	AFFX-HSAC07/X00351_5_st
AFFX-HSAC07/X00351_5_at	AFFX-HSAC07/X00351_M_at
AFFX-HSAC07/X00351_3_at	32318_s_at

AFFX-HSAC07/X00351_3_at	AFFX-HSAC07/X00351_3_at
AFFX-HSAC07/X00351_3_at	AFFX-HSAC07/X00351_3_st
AFFX-HSAC07/X00351_3_at	AFFX-HSAC07/X00351_5_at
AFFX-HSAC07/X00351_3_at	AFFX-HSAC07/X00351_5_st
AFFX-HSAC07/X00351_3_at	AFFX-HSAC07/X00351_M_at
39817_s_at	39817_s_at
39817_s_at	39818_at
38671_at	38671_at
37996_s_at	37996_s_at
37950_at	37950_at
37408_at	37408_at
37384_at	37384_at
37117_at	37117_at
37022_at	37022_at
37005_at	37005_at
35846_at	35846_at
33850_at	242_at
33850_at	243_g_at
33850_at	32226_at
33767_at	33767_at
33323_r_at	33322_i_at
33323_r_at	33323_r_at
33322_i_at	33322_i_at
33322_i_at	33323_r_at
32094_at	32094_at
243_g_at	242_at
243_g_at	243_g_at
243_g_at	32226_at
222221_x_at	40098_at
222067_x_at	38576_at
222043_at	36780_at
221922_at	33185_at
221881_s_at	33891_at
221872_at	1042_at
221730_at	38420_at
221729_at	38420_at
221586_s_at	1044_s_at
221586_s_at	1639_s_at
221584_s_at	40737_at
221564_at	39348_at
221475_s_at	32432_f_at
219514_at	37573_at
219140_s_at	32552_at
218924_s_at	37855_at
218831_s_at	31431_at
218831_s_at	31432_g_at
218820_at	41837_at
218215_s_at	518_at
217871_s_at	895_at
217826_s_at	39039_s_at

217826_s_at	39040_at
217764_s_at	33371_s_at
217764_s_at	33372_at
217763_s_at	33371_s_at
217763_s_at	33372_at
217762_s_at	33371_s_at
217762_s_at	33372_at
217741_s_at	41542_at
217691_x_at	33143_s_at
217487_x_at	1739_at
217487_x_at	1740_g_at
217437_s_at	40841_at
217398_x_at	35905_s_at
217066_s_at	37996_s_at
217014_s_at	35834_at
216944_s_at	32778_at
216944_s_at	32779_s_at
216944_s_at	755_at
216905_s_at	35309_at
216899_s_at	36091_at
216887_s_at	34870_at
216866_s_at	34388_at
216840_s_at	36917_at
216733_s_at	36595_s_at
216733_s_at	36596_r_at
216689_x_at	39700_at
216689_x_at	552_at
216689_x_at	553_g_at
216623_x_at	37426_at
216602_s_at	34291_at
216594_x_at	32805_at
216483_s_at	38969_at
216474_x_at	32905_s_at
216442_x_at	311_s_at
216442_x_at	31719_at
216442_x_at	31720_s_at
216438_s_at	33421_s_at
216397_s_at	35615_at
216331_at	36892_at
216251_s_at	37648_at
216236_s_at	36979_at
216235_s_at	1507_s_at
216230_x_at	32574_at
216230_x_at	37371_at
216215_s_at	40260_g_at
216205_s_at	34369_at
216111_x_at	41258_at
216100_s_at	40832_s_at
216100_s_at	40833_r_at
216074_x_at	34213_at

216033_s_at	2039_s_at
216033_s_at	40480_s_at
215990_s_at	40091_at
215779_s_at	32819_at
215711_s_at	36909_at
215707_s_at	36159_s_at
215706_x_at	36958_at
215606_s_at	37869_at
215537_x_at	36131_at
215537_x_at	38621_at
215493_x_at	32673_at
215485_s_at	32640_at
215471_s_at	39732_at
215464_s_at	39416_at
215438_x_at	33932_at
215382_x_at	32905_s_at
215333_x_at	39054_at
215300_s_at	37874_at
215222_x_at	38704_at
215193_x_at	41723_s_at
215108_x_at	37426_at
215051_x_at	33641_g_at
215016_x_at	40304_at
215000_s_at	38651_at
214909_s_at	36131_at
214909_s_at	38621_at
214894_x_at	38704_at
214889_at	34423_at
214875_x_at	33944_at
214789_x_at	32038_s_at
214774_x_at	37426_at
214771_x_at	38730_at
214761_at	34950_at
214752_x_at	32749_s_at
214752_x_at	32750_r_at
214726_x_at	32145_at
214643_x_at	459_s_at
214598_at	33611_g_at
214582_at	35872_at
214582_at	746_at
214577_at	41373_s_at
214543_x_at	39759_at
214543_x_at	39760_at
214508_x_at	32065_at
214508_x_at	32066_g_at
214508_x_at	32067_at
214505_s_at	32542_at
214501_s_at	36576_at
214500_at	36576_at
214463_x_at	34027_f_at

214455_at	32980_f_at
214449_s_at	1818_at
214449_s_at	40555_at
214439_x_at	459_s_at
214308_s_at	31844_at
214307_at	31844_at
214271_x_at	33668_at
214266_s_at	39530_at
214265_at	41005_at
214212_x_at	36577_at
214170_x_at	32546_at
214167_s_at	31538_at
214117_s_at	37274_at
214077_x_at	37486_f_at
214040_s_at	32612_at
214039_s_at	41188_at
214027_x_at	40776_at
213994_s_at	35277_at
213993_at	35277_at
213992_at	39939_at
213982_s_at	34445_at
213982_s_at	34446_at
213974_at	38856_at
213947_s_at	41812_s_at
213901_x_at	40260_g_at
213892_s_at	34310_at
213867_x_at	32318_s_at
213867_x_at	AFFX-HSAC07/X00351_3_at
213867_x_at	AFFX-HSAC07/X00351_3_st
213867_x_at	AFFX-HSAC07/X00351_5_at
213867_x_at	AFFX-HSAC07/X00351_5_st
213867_x_at	AFFX-HSAC07/X00351_M_at
213804_at	33290_at
213800_at	32250_at
213798_s_at	935_at
213791_at	38291_at
213787_s_at	32536_at
213746_s_at	32749_s_at
213746_s_at	32750_r_at
213702_x_at	36938_at
213702_x_at	461_at
213688_at	41143_at
213688_at	41144_g_at
213675_at	39750_at
213620_s_at	38454_g_at
213600_at	37831_at
213572_s_at	33305_at
213541_s_at	36383_at
213541_s_at	914_g_at
213524_s_at	38326_at

213519_s_at	36917_at
213506_at	36345_g_at
213506_at	38247_at
213492_at	37605_at
213492_at	598_at
213485_s_at	36732_at
213476_x_at	471_f_at
213455_at	38643_at
213453_x_at	35905_s_at
213446_s_at	1825_at
213428_s_at	38722_at
213422_s_at	35219_at
213400_s_at	32554_s_at
213400_s_at	32555_at
213395_at	36897_at
213371_at	34870_at
213338_at	35692_at
213325_at	34202_at
213307_at	37806_at
213293_s_at	36825_at
213275_x_at	32372_at
213189_at	34662_at
213176_s_at	33137_at
213154_s_at	40879_at
213152_s_at	32038_s_at
213151_s_at	32175_at
213138_at	38278_at
213134_x_at	37218_at
213107_at	32680_at
213102_at	35271_at
213071_at	38059_g_at
213068_at	38059_g_at
213041_s_at	37992_s_at
213041_s_at	37993_at
213005_s_at	37225_at
213004_at	37573_at
213001_at	37573_at
212998_x_at	36773_f_at
212977_at	34288_at
212937_s_at	38722_at
212914_at	39788_at
212886_at	34183_at
212878_s_at	39057_at
212865_s_at	34388_at
212845_at	40855_at
212843_at	1566_at
212843_at	41289_at
212838_at	34712_at
212826_s_at	40435_at
212826_s_at	40436_g_at

212817_at	38632_at
212793_at	41098_at
212792_at	39021_at
212765_at	34688_at
212764_at	33440_at
212758_s_at	33440_at
212757_s_at	32104_i_at
212757_s_at	32105_f_at
212747_at	40971_at
212744_at	33175_at
212730_at	39544_at
212724_at	35803_at
212713_at	39066_at
212694_s_at	36561_at
212670_at	31621_s_at
212670_at	39098_at
212669_at	32104_i_at
212669_at	32105_f_at
212667_at	671_at
212658_at	37542_at
212652_s_at	40605_at
212651_at	39771_at
212647_at	1879_at
212647_at	38338_at
212646_at	32593_at
212624_s_at	40512_at
212610_at	38443_at
212609_s_at	40781_at
212590_at	32827_at
212581_x_at	35905_s_at
212573_at	40455_at
212572_at	32182_at
212567_s_at	242_at
212567_s_at	243_g_at
212567_s_at	32226_at
212566_at	242_at
212566_at	243_g_at
212566_at	32226_at
212565_at	32182_at
212563_at	35615_at
212561_at	33924_at
212554_at	33404_at
212554_at	33405_at
212554_at	693_g_at
212551_at	33404_at
212551_at	33405_at
212551_at	693_g_at
212535_at	41747_s_at
212526_at	39852_at
212510_at	38394_at

212504_at	33407_at
212504_at	33408_at
212503_s_at	33407_at
212503_s_at	33408_at
212494_at	35358_at
212470_at	39419_at
212457_at	34669_at
212449_s_at	39396_at
212445_s_at	39356_at
212430_at	38661_at
212409_s_at	40832_s_at
212409_s_at	40833_r_at
212408_at	40832_s_at
212408_at	40833_r_at
212358_at	36095_at
212354_at	35832_at
212344_at	35832_at
212330_at	37758_s_at
212325_at	32812_at
212316_at	41812_s_at
212314_at	41585_at
212280_x_at	37041_at
212276_at	38098_at
212274_at	38098_at
212272_at	38098_at
212254_s_at	40304_at
212253_x_at	40304_at
212252_at	38716_at
212240_s_at	1269_at
212236_x_at	34301_r_at
212235_at	38671_at
212230_at	33862_at
212227_x_at	33850_at
212203_x_at	41745_at
212197_x_at	38730_at
212169_at	38761_s_at
212157_at	39757_at
212154_at	39757_at
212130_x_at	33850_at
212127_at	32151_at
212120_at	1818_at
212120_at	40555_at
212119_at	1818_at
212119_at	40555_at
212118_at	40176_at
212117_at	1818_at
212117_at	40555_at
212116_at	40176_at
212104_s_at	40260_g_at
212097_at	36119_at

212091_s_at	38722_at
212088_at	36602_at
212085_at	40435_at
212085_at	40436_g_at
212082_s_at	33994_g_at
212071_s_at	39556_at
212067_s_at	39409_at
212041_at	38686_at
212008_at	37336_at
211991_s_at	38833_at
211990_at	38833_at
211981_at	39333_at
211980_at	39333_at
211978_x_at	33667_at
211966_at	36659_at
211964_at	36659_at
211954_s_at	39028_at
211949_s_at	36597_at
211945_s_at	32808_at
211892_s_at	36533_at
211871_x_at	38176_at
211864_s_at	34678_at
211778_s_at	36761_at
211765_x_at	33667_at
211762_s_at	40407_at
211749_s_at	35783_at
211719_x_at	311_s_at
211719_x_at	31719_at
211719_x_at	31720_s_at
211678_s_at	38670_at
211678_s_at	41698_at
211658_at	39729_at
211654_x_at	36773_f_at
211651_s_at	581_at
211596_s_at	34800_at
211576_s_at	33135_at
211574_s_at	38441_s_at
211573_x_at	231_at
211573_x_at	38404_at
211562_s_at	37765_at
211559_s_at	1913_at
211559_s_at	37723_at
211558_s_at	37722_s_at
211538_s_at	36925_at
211538_s_at	645_at
211537_x_at	36905_at
211536_x_at	36905_at
211535_s_at	2056_at
211535_s_at	2057_g_at
211535_s_at	424_s_at

211473_s_at	39939_at
211423_s_at	33421_s_at
211404_s_at	33944_at
211378_x_at	33667_at
211323_s_at	32778_at
211323_s_at	32779_s_at
211323_s_at	755_at
211296_x_at	1366_i_at
211296_x_at	32335_r_at
211256_x_at	32673_at
211203_s_at	31809_at
211203_s_at	31810_g_at
211160_x_at	39329_at
211160_x_at	39330_s_at
211144_x_at	41468_at
211126_s_at	41401_at
211071_s_at	36941_at
211070_x_at	37692_at
211043_s_at	32522_f_at
211031_s_at	41396_at
211026_s_at	35792_at
211003_x_at	231_at
211003_x_at	38404_at
210990_s_at	37671_at
210986_s_at	36790_at
210986_s_at	36791_g_at
210986_s_at	36792_at
210982_s_at	37039_at
210976_s_at	36196_at
210973_s_at	2056_at
210973_s_at	2057_g_at
210973_s_at	424_s_at
210935_s_at	38736_at
210907_s_at	35218_at
210840_s_at	1825_at
210829_s_at	32668_at
210794_s_at	39026_r_at
210787_s_at	38716_at
210764_s_at	38772_at
210762_s_at	37951_at
210738_s_at	35285_at
210738_s_at	35871_s_at
210736_x_at	36467_g_at
210736_x_at	36469_at
210736_x_at	36470_s_at
210702_s_at	36533_at
210648_x_at	39360_at
210628_x_at	33137_at
210627_s_at	38464_at
210592_s_at	1173_g_at

210592_s_at	34304_s_at
210588_x_at	40836_s_at
210582_s_at	38618_at
210570_x_at	1238_at
210570_x_at	38431_at
210547_x_at	32634_s_at
210544_s_at	40409_at
210541_s_at	40176_at
210517_s_at	37680_at
210495_x_at	311_s_at
210495_x_at	31719_at
210495_x_at	31720_s_at
210471_s_at	32709_at
210470_x_at	38527_at
210338_s_at	1180_g_at
210337_s_at	40881_at
210317_s_at	1011_s_at
210299_s_at	32542_at
210298_x_at	32542_at
210243_s_at	39445_at
210237_at	35899_at
210202_s_at	459_s_at
210201_x_at	459_s_at
210186_s_at	151_s_at
210156_s_at	37737_at
210139_s_at	38653_at
210110_x_at	40836_s_at
210105_s_at	2039_s_at
210105_s_at	40480_s_at
210101_x_at	39691_at
210089_s_at	37671_at
210084_x_at	32905_s_at
210079_x_at	32709_at
210036_s_at	38225_at
210036_s_at	38858_at
210027_s_at	2025_s_at
210026_s_at	41817_g_at
210026_s_at	41818_at
210024_s_at	34850_at
209967_s_at	32065_at
209967_s_at	32066_g_at
209967_s_at	32067_at
209948_at	38298_at
209897_s_at	39634_at
209896_s_at	38443_at
209895_at	38443_at
209872_s_at	41359_at
209868_s_at	31671_at
209868_s_at	31672_g_at
209868_s_at	333_s_at

209868_s_at	33867_s_at
209863_s_at	31791_at
209834_at	32094_at
209823_x_at	36773_f_at
209818_s_at	32970_f_at
209786_at	35737_at
209786_at	35738_at
209772_s_at	266_s_at
209747_at	1767_s_at
209708_at	36834_at
209702_at	37242_at
209696_at	36495_at
209695_at	36008_at
209687_at	32666_at
209687_at	33834_at
209685_s_at	1217_g_at
209685_s_at	1336_s_at
209685_s_at	160029_at
209665_at	39752_at
209663_s_at	36892_at
209656_s_at	37958_at
209655_s_at	37958_at
209651_at	35146_at
209646_x_at	38503_at
209645_s_at	38503_at
209625_at	40629_at
209624_s_at	36432_at
209623_at	36432_at
209621_s_at	39690_at
209608_s_at	34790_at
209583_s_at	37716_at
209582_s_at	37716_at
209576_at	33809_at
209568_s_at	37539_at
209563_x_at	41143_at
209563_x_at	41144_g_at
209550_at	36073_at
209539_at	37543_at
209516_at	36462_at
209505_at	1147_at
209496_at	34407_at
209488_s_at	1276_g_at
209488_s_at	34162_at
209488_s_at	34163_g_at
209488_s_at	38047_at
209488_s_at	38049_g_at
209487_at	1276_g_at
209487_at	34162_at
209487_at	34163_g_at
209487_at	38047_at

209487_at	38049_g_at
209482_at	32213_at
209470_s_at	36939_at
209469_at	36939_at
209440_at	36489_at
209437_s_at	35277_at
209436_at	35277_at
209433_s_at	34341_at
209427_at	31830_s_at
209427_at	31831_at
209426_s_at	41706_at
209425_at	41706_at
209424_s_at	41706_at
209406_at	35291_at
209402_s_at	38625_g_at
209402_s_at	39521_at
209401_s_at	38625_g_at
209401_s_at	39521_at
209398_at	37018_at
209391_at	38726_at
209389_x_at	37692_at
209379_s_at	37617_at
209368_at	41473_at
209367_at	38259_at
209366_x_at	38458_at
209366_x_at	38459_g_at
209363_s_at	34356_at
209363_s_at	34357_g_at
209360_s_at	1882_g_at
209360_s_at	2026_at
209356_x_at	35347_at
209355_s_at	33862_at
209340_at	41242_at
209337_at	39243_s_at
209323_at	41141_at
209318_x_at	36943_r_at
209312_x_at	41723_s_at
209309_at	35834_at
209302_at	35631_at
209292_at	41536_at
209291_at	41536_at
209288_s_at	33362_at
209287_s_at	33362_at
209265_s_at	32245_at
209265_s_at	32246_g_at
209242_at	39701_at
209210_s_at	36577_at
209209_s_at	36577_at
209203_s_at	40879_at
209200_at	37710_at

209199_s_at	37710_at
209198_s_at	36144_at
209197_at	36144_at
209194_at	38410_at
209170_s_at	37251_s_at
209167_at	37251_s_at
209154_at	39416_at
209147_s_at	34797_at
209142_s_at	1423_at
209129_at	39341_at
209118_s_at	40567_at
209114_at	34775_at
209113_s_at	41526_at
209104_s_at	41322_s_at
209101_at	36638_at
209091_s_at	39691_at
209090_s_at	39691_at
209074_s_at	38044_at
209047_at	36156_at
209039_x_at	40098_at
209009_at	38375_at
208985_s_at	40616_at
208980_s_at	1366_i_at
208980_s_at	32335_r_at
208978_at	35828_at
208966_x_at	1456_s_at
208964_s_at	39372_at
208964_s_at	39373_at
208964_s_at	41719_i_at
208964_s_at	41720_r_at
208962_s_at	39372_at
208962_s_at	39373_at
208962_s_at	41719_i_at
208962_s_at	41720_r_at
208944_at	1814_at
208944_at	1815_g_at
208941_s_at	39387_at
208910_s_at	37668_at
208905_at	35818_at
208904_s_at	39798_at
208899_x_at	33854_at
208894_at	37039_at
208881_x_at	36985_at
208868_s_at	35785_at
208853_s_at	40125_at
208852_s_at	40125_at
208848_at	37707_i_at
208848_at	37708_r_at
208843_s_at	35806_at
208842_s_at	35806_at

208837_at	41163_at
208801_at	33837_at
208800_at	33837_at
208792_s_at	36780_at
208791_at	36780_at
208787_at	37726_at
208786_s_at	39370_at
208781_x_at	39360_at
208778_s_at	34791_at
208770_s_at	35263_at
208767_s_at	41188_at
208763_s_at	36629_at
208763_s_at	36630_at
208756_at	1644_at
208756_at	32230_at
208747_s_at	40496_at
208737_at	38814_at
208702_x_at	33944_at
208700_s_at	38789_at
208699_x_at	38789_at
208698_s_at	38527_at
208687_x_at	1180_g_at
208682_s_at	34859_at
208679_s_at	1718_at
208675_s_at	38791_at
208650_s_at	266_s_at
208637_x_at	39329_at
208637_x_at	39330_s_at
208636_at	39329_at
208636_at	39330_s_at
208633_s_at	38704_at
208632_at	34883_at
208628_s_at	36140_at
208627_s_at	36140_at
208591_s_at	35872_at
208591_s_at	746_at
208527_x_at	31523_f_at
208523_x_at	31524_f_at
208490_x_at	31522_f_at
208456_s_at	32827_at
208454_s_at	32765_f_at
208447_s_at	36489_at
208430_s_at	36467_g_at
208430_s_at	36469_at
208430_s_at	36470_s_at
208370_s_at	32168_s_at
208308_s_at	39122_at
208306_x_at	32035_at
208264_s_at	40616_at
208146_s_at	38323_at

208131_s_at	36533_at
208112_x_at	40098_at
208029_s_at	41188_at
207984_s_at	34656_at
207977_s_at	38059_g_at
207961_x_at	32582_at
207961_x_at	37407_s_at
207961_x_at	767_at
207961_x_at	773_at
207961_x_at	774_g_at
207957_s_at	1217_g_at
207957_s_at	1336_s_at
207957_s_at	160029_at
207949_s_at	32634_s_at
207936_x_at	31941_s_at
207876_s_at	35330_at
207843_x_at	38458_at
207843_x_at	38459_g_at
207842_s_at	38437_at
207836_s_at	1276_g_at
207836_s_at	34162_at
207836_s_at	34163_g_at
207836_s_at	38047_at
207836_s_at	38049_g_at
207824_s_at	32553_at
207821_s_at	36117_at
207802_at	36464_at
207761_s_at	38717_at
207741_x_at	32905_s_at
207714_s_at	39167_r_at
207630_s_at	32065_at
207630_s_at	32066_g_at
207630_s_at	32067_at
207629_s_at	40099_at
207563_s_at	38614_s_at
207549_x_at	38441_s_at
207547_s_at	38044_at
207542_s_at	36156_at
207507_s_at	34811_at
207453_s_at	38632_at
207390_s_at	31830_s_at
207390_s_at	31831_at
207348_s_at	1188_g_at
207317_s_at	36505_at
207266_x_at	31671_at
207266_x_at	31672_g_at
207266_x_at	333_s_at
207266_x_at	33867_s_at
207260_at	31685_at
207172_s_at	2087_s_at

207172_s_at	36976_at
207124_s_at	38176_at
207121_s_at	36926_at
207071_s_at	40077_at
207001_x_at	36629_at
207001_x_at	36630_at
206938_at	565_at
206932_at	32363_at
206868_at	34034_at
206858_s_at	40674_s_at
206842_at	40021_at
206813_at	36252_at
206701_x_at	1198_at
206666_at	36280_at
206649_s_at	34669_at
206631_at	828_at
206580_s_at	35347_at
206558_at	39608_at
206558_at	39609_at
206459_s_at	33684_at
206458_s_at	33684_at
206434_at	33596_at
206433_s_at	33596_at
206429_at	36345_g_at
206429_at	38247_at
206385_s_at	36965_at
206382_s_at	1088_at
206382_s_at	40023_at
206377_at	36319_at
206375_s_at	528_at
206352_s_at	41281_s_at
206352_s_at	41282_s_at
206351_s_at	41281_s_at
206351_s_at	41282_s_at
206332_s_at	1456_s_at
206284_x_at	32522_f_at
206117_at	36790_at
206117_at	36791_g_at
206117_at	36792_at
206116_s_at	36790_at
206116_s_at	36791_g_at
206116_s_at	36792_at
206106_at	983_at
206076_at	39447_f_at
206070_s_at	1234_at
206065_s_at	41422_at
206030_at	39654_at
206009_at	1508_at
205980_s_at	37117_at
205963_s_at	36541_at

205961_s_at	39243_s_at
205942_s_at	33278_at
205942_s_at	41149_at
205942_s_at	33279_s_at
205937_at	470_at
205935_at	38183_at
205934_at	1182_at
205895_s_at	36597_at
205882_x_at	33102_at
205882_x_at	33103_s_at
205827_at	37572_at
205805_s_at	213_at
205803_s_at	39123_s_at
205803_s_at	39125_at
205782_at	1380_at
205782_at	1466_s_at
205780_at	2011_s_at
205780_at	36891_at
205776_at	37874_at
205743_at	40024_at
205741_s_at	36467_g_at
205741_s_at	36469_at
205741_s_at	36470_s_at
205730_s_at	39597_at
205709_s_at	40217_s_at
205709_s_at	40218_at
205683_x_at	33321_r_at
205645_at	40663_at
205620_at	39979_at
205611_at	39588_at
205608_s_at	1929_at
205608_s_at	39315_at
205575_at	39920_r_at
205573_s_at	37808_at
205548_s_at	37218_at
205547_s_at	36931_at
205505_at	38218_at
205480_s_at	37373_at
205475_at	35837_at
205438_at	40524_at
205433_at	37841_at
205431_s_at	1831_at
205430_at	1831_at
205407_at	35234_at
205404_at	35702_at
205384_at	32109_at
205382_s_at	40282_s_at
205348_s_at	40318_at
205329_s_at	40605_at
205325_at	37191_at

205304_s_at	34428_at
205303_at	34428_at
205294_at	37760_at
205294_at	37761_at
205262_at	38225_at
205262_at	38858_at
205249_at	37863_at
205225_at	1681_at
205221_at	31844_at
205219_s_at	37825_at
205200_at	36569_at
205168_at	1319_at
205160_at	39648_at
205158_at	32664_at
205157_s_at	34301_r_at
205155_s_at	33630_s_at
205132_at	39063_at
205120_s_at	37223_at
205116_at	36917_at
205110_s_at	36232_at
205110_s_at	468_at
205047_s_at	36671_at
205018_s_at	33318_at
205011_at	38151_at
205001_s_at	38355_at
204993_at	38279_at
204979_s_at	36040_at
204964_s_at	33302_at
204964_s_at	33303_at
204963_at	33302_at
204963_at	33303_at
204939_s_at	38734_at
204938_s_at	38734_at
204934_s_at	37639_at
204931_at	37247_at
204929_s_at	32533_s_at
204929_s_at	32534_f_at
204903_x_at	37041_at
204894_s_at	33756_at
204875_s_at	35071_s_at
204872_at	38364_at
204834_at	39591_s_at
204834_at	39592_r_at
204803_s_at	1776_at
204802_at	1776_at
204790_at	1857_at
204780_s_at	37643_at
204777_s_at	38051_at
204755_x_at	401_s_at
204754_at	401_s_at

204753_s_at	401_s_at
204751_x_at	39302_at
204749_at	743_at
204744_s_at	40827_at
204734_at	37582_at
204731_at	1897_at
204730_at	37265_at
204714_s_at	35245_at
204713_s_at	35245_at
204688_at	41449_at
204615_x_at	36985_at
204610_s_at	41851_at
204608_at	36528_at
204607_at	35345_at
204595_s_at	41354_at
204570_at	39031_at
204556_s_at	36521_at
204518_s_at	37422_at
204517_at	37422_at
204491_at	38526_at
204484_at	41715_at
204472_at	37279_at
204464_s_at	1507_s_at
204463_s_at	1507_s_at
204442_x_at	33137_at
204436_at	36856_at
204430_s_at	34362_at
204429_s_at	34362_at
204427_s_at	36972_at
204426_at	36972_at
204424_s_at	38028_at
204422_s_at	1593_at
204422_s_at	41806_at
204421_s_at	1593_at
204421_s_at	41806_at
204412_s_at	33767_at
204396_s_at	1135_at
204395_s_at	1135_at
204394_at	33708_at
204393_s_at	32200_at
204392_at	251_at
204352_at	35238_at
204345_at	35168_f_at
204345_at	35169_at
204344_s_at	39099_at
204341_at	38881_i_at
204341_at	38882_r_at
204331_s_at	33214_at
204319_s_at	33121_g_at
204312_x_at	877_at

204273_at	1198_at
204271_s_at	1198_at
204223_at	37022_at
204163_at	35740_at
204151_x_at	32805_at
204147_s_at	37758_s_at
204141_at	296_at
204141_at	39331_at
204141_at	297_g_at
204140_at	32718_at
204135_at	31897_at
204134_at	31904_at
204133_at	31882_at
204123_at	1188_g_at
204122_at	38363_at
204117_at	37950_at
204114_at	753_at
204100_at	35846_at
204099_at	32565_at
204083_s_at	32312_at
204083_s_at	32313_at
204083_s_at	32314_g_at
204069_at	40763_at
204059_s_at	33644_at
204059_s_at	837_s_at
204058_at	33644_at
204058_at	837_s_at
204045_at	38317_at
204042_at	1058_at
204038_s_at	40387_at
204037_at	40387_at
204031_s_at	35745_f_at
204031_s_at	35746_r_at
204030_s_at	36536_at
204005_s_at	40621_at
204000_at	38176_at
203973_s_at	1052_s_at
203966_s_at	36501_at
203966_s_at	857_at
203953_s_at	33904_at
203951_at	34203_at
203944_x_at	32673_at
203931_s_at	39812_at
203926_x_at	37992_s_at
203926_x_at	37993_at
203911_at	1251_g_at
203909_at	36542_at
203908_at	35285_at
203908_at	35871_s_at
203903_s_at	35644_at

203886_s_at	32783_at
203851_at	1736_at
203811_s_at	158_at
203811_s_at	33533_at
203810_at	158_at
203810_at	33533_at
203787_at	32668_at
203766_s_at	37765_at
203752_s_at	1612_s_at
203752_s_at	41483_s_at
203748_x_at	31671_at
203748_x_at	31672_g_at
203748_x_at	333_s_at
203748_x_at	33867_s_at
203739_at	32034_at
203733_at	41637_at
203729_at	39182_at
203725_at	1911_s_at
203722_at	37331_g_at
203710_at	32778_at
203710_at	32779_s_at
203710_at	755_at
203698_s_at	40230_at
203688_at	38120_at
203680_at	37221_at
203666_at	32666_at
203666_at	33834_at
203663_s_at	41223_at
203649_s_at	37017_at
203649_s_at	614_at
203641_s_at	41755_at
203638_s_at	1143_s_at
203638_s_at	1363_at
203638_s_at	1145_g_at
203620_s_at	32224_at
203592_s_at	33900_at
203586_s_at	41774_at
203585_at	32139_at
203582_s_at	39244_at
203582_s_at	621_at
203576_at	41111_at
203562_at	37743_at
203557_s_at	34352_at
203542_s_at	40202_at
203524_s_at	36124_at
203498_at	32076_at
203456_at	34318_at
203455_s_at	1173_g_at
203455_s_at	34304_s_at
203453_at	35207_at

203449_s_at	1329_s_at
203449_s_at	32255_i_at
203449_s_at	32256_r_at
203435_s_at	1389_at
203434_s_at	1389_at
203430_at	41454_at
203423_at	38634_at
203415_at	37569_at
203414_at	37565_at
203413_at	32598_at
203411_s_at	37378_r_at
203397_s_at	36483_at
203397_s_at	36484_at
203370_s_at	39530_at
203369_x_at	39530_at
203324_s_at	339_at
203324_s_at	40168_at
203320_at	39428_at
203311_s_at	33152_at
203304_at	37678_at
203303_at	36921_at
203300_x_at	41549_s_at
203296_s_at	34377_at
203243_s_at	40060_r_at
203242_s_at	40060_r_at
203241_at	39429_at
203233_at	404_at
203219_s_at	34310_at
203218_at	1238_at
203218_at	38431_at
203197_s_at	39743_at
203196_at	1931_at
203196_at	34955_at
203186_s_at	38087_s_at
203180_at	36686_at
203174_s_at	35765_at
203167_at	1375_s_at
203167_at	34722_at
203151_at	35917_at
203140_at	40091_at
203139_at	40049_at
203138_at	41855_at
203099_s_at	32111_at
203088_at	39038_at
203068_at	35190_at
203066_at	35350_at
203065_s_at	36119_at
203063_at	37384_at
203043_at	39168_at
203041_s_at	38402_at

203041_s_at	38403_at
203033_x_at	32546_at
203007_x_at	39396_at
202995_s_at	38026_at
202995_s_at	38027_at
202994_s_at	38026_at
202994_s_at	38027_at
202992_at	37394_at
202978_s_at	41495_at
202949_s_at	38422_s_at
202946_s_at	37755_at
202941_at	34893_at
202936_s_at	33436_at
202935_s_at	33436_at
202931_x_at	459_s_at
202929_s_at	33689_s_at
202929_s_at	41180_i_at
202921_s_at	39850_at
202916_s_at	35318_at
202915_s_at	35318_at
202908_at	35164_at
202898_at	32092_at
202890_at	39732_at
202889_x_at	39732_at
202886_s_at	41429_at
202884_s_at	41429_at
202836_s_at	33631_at
202836_s_at	33632_g_at
202828_s_at	34747_at
202812_at	31816_at
202802_at	37722_s_at
202796_at	33719_at
202796_at	36452_at
202795_x_at	34046_at
202787_s_at	1637_at
202786_at	40966_at
202784_s_at	41722_at
202779_s_at	893_at
202770_s_at	1913_at
202770_s_at	37723_at
202769_at	1913_at
202769_at	37723_at
202766_s_at	32535_at
202765_s_at	32535_at
202760_s_at	35985_at
202759_s_at	35985_at
202748_at	32700_at
202740_at	37713_at
202738_s_at	37392_at
202736_s_at	32559_s_at

202736_s_at	32560_s_at
202734_at	36116_at
202732_at	34376_at
202729_s_at	1495_at
202728_s_at	1495_at
202722_s_at	32626_at
202721_s_at	32626_at
202719_s_at	32134_at
202688_at	1715_at
202686_s_at	38433_at
202685_s_at	38433_at
202655_at	36615_at
202637_s_at	32640_at
202609_at	1467_at
202606_s_at	32219_at
202605_at	33308_at
202599_s_at	40088_at
202598_at	39712_at
202583_s_at	39547_at
202579_x_at	35737_at
202579_x_at	35738_at
202566_s_at	40069_at
202565_s_at	40069_at
202555_s_at	32847_at
202554_s_at	1121_g_at
202554_s_at	32798_at
202548_s_at	40828_at
202542_s_at	39734_at
202534_x_at	37913_at
202522_at	353_at
202506_at	38409_at
202504_at	1898_at
202499_s_at	36979_at
202497_x_at	36979_at
202465_at	31609_s_at
202450_s_at	128_at
202450_s_at	129_g_at
202440_s_at	37745_s_at
202440_s_at	37746_r_at
202428_x_at	37692_at
202427_s_at	37000_at
202410_x_at	1664_at
202407_s_at	40904_at
202404_s_at	32305_at
202404_s_at	32306_g_at
202404_s_at	32307_s_at
202403_s_at	32305_at
202403_s_at	32306_g_at
202403_s_at	32307_s_at
202401_s_at	40109_at

202395_at	38719_at
202388_at	37701_at
202371_at	32251_at
202362_at	1848_at
202350_s_at	32239_at
202296_s_at	41551_at
202296_s_at	41552_g_at
202291_s_at	41287_s_at
202286_s_at	291_s_at
202286_s_at	41286_at
202283_at	40856_at
202274_at	1197_at
202273_at	1771_s_at
202269_x_at	35735_at
202266_at	34825_at
202262_x_at	36131_at
202262_x_at	38621_at
202254_at	40805_at
202242_at	38408_at
202228_s_at	35747_at
202222_s_at	40776_at
202202_s_at	37671_at
202201_at	37002_at
202193_at	38618_at
202180_s_at	38064_at
202161_at	175_s_at
202159_at	34291_at
202148_s_at	37741_at
202138_x_at	41250_at
202133_at	33876_at
202132_at	33876_at
202123_s_at	1635_at
202123_s_at	32974_at
202123_s_at	39730_at
202123_s_at	1636_g_at
202123_s_at	32975_g_at
202117_at	39700_at
202117_at	552_at
202117_at	553_g_at
202105_at	34391_at
202092_s_at	33198_at
202089_s_at	1798_at
202081_at	36097_at
202075_s_at	40081_at
202074_s_at	41742_s_at
202074_s_at	41744_at
202073_at	41742_s_at
202073_at	41744_at
202069_s_at	36195_at
202023_at	40425_at

202021_x_at	33850_at
202005_at	35309_at
201995_at	222_at
201993_x_at	32393_s_at
201980_s_at	32544_s_at
201977_s_at	35744_at
201968_s_at	32210_at
201958_s_at	34925_at
201958_s_at	41137_at
201957_at	34925_at
201957_at	41137_at
201955_at	1923_at
201955_at	39251_at
201947_s_at	35759_at
201946_s_at	35759_at
201934_at	32248_at
201931_at	40509_at
201923_at	38435_at
201912_s_at	33932_at
201909_at	41214_at
201900_s_at	38780_at
201892_s_at	36624_at
201869_s_at	32554_s_at
201869_s_at	32555_at
201868_s_at	32554_s_at
201868_s_at	32555_at
201867_s_at	32554_s_at
201867_s_at	32555_at
201858_s_at	32227_at
201852_x_at	32488_at
201848_s_at	38010_at
201843_s_at	32551_at
201842_s_at	32551_at
201841_s_at	36785_at
201839_s_at	575_s_at
201828_x_at	33856_at
201805_at	34346_at
201792_at	39069_at
201787_at	38026_at
201787_at	38027_at
201785_at	37402_at
201761_at	40074_at
201760_s_at	40167_s_at
201758_at	147_at
201744_s_at	38038_at
201743_at	36661_s_at
201742_x_at	36098_at
201738_at	33351_at
201735_s_at	40880_r_at
201723_s_at	38041_at

201719_s_at	32585_at
201718_s_at	32585_at
201694_s_at	789_at
201689_s_at	33840_at
201688_s_at	33840_at
201667_at	32531_at
201662_s_at	33880_at
201662_s_at	33881_at
201660_at	33880_at
201660_at	33881_at
201655_s_at	32845_at
201650_at	40899_at
201647_s_at	33823_at
201641_at	39061_at
201627_s_at	35303_at
201625_s_at	35303_at
201621_at	37005_at
201617_x_at	41738_at
201617_x_at	41739_s_at
201616_s_at	41738_at
201616_s_at	41739_s_at
201615_x_at	41738_at
201615_x_at	41739_s_at
201609_x_at	41775_at
201604_s_at	40438_at
201596_x_at	35766_at
201583_s_at	40851_r_at
201582_at	40851_r_at
201577_at	1521_at
201577_at	39073_at
201568_at	34400_at
201560_at	33891_at
201559_s_at	33891_at
201543_s_at	41451_s_at
201540_at	32542_at
201539_s_at	32542_at
201538_s_at	41225_at
201538_s_at	41226_at
201537_s_at	41225_at
201537_s_at	41226_at
201536_at	41225_at
201536_at	41226_at
201524_x_at	1660_at
201524_x_at	36604_at
201523_x_at	1660_at
201523_x_at	36604_at
201522_x_at	34842_at
201521_s_at	32789_at
201516_at	241_g_at
201505_at	581_at

201497_x_at	32582_at
201497_x_at	37407_s_at
201497_x_at	767_at
201497_x_at	773_at
201497_x_at	774_g_at
201496_x_at	32582_at
201496_x_at	37407_s_at
201496_x_at	767_at
201496_x_at	773_at
201496_x_at	774_g_at
201495_x_at	32582_at
201495_x_at	37407_s_at
201495_x_at	767_at
201495_x_at	773_at
201495_x_at	774_g_at
201482_at	1257_s_at
201475_x_at	39342_at
201460_at	36179_at
201460_at	36180_s_at
201459_at	35758_at
201457_x_at	34783_s_at
201457_x_at	41547_at
201446_s_at	33852_at
201438_at	38077_at
201431_s_at	36149_at
201430_s_at	36149_at
201421_s_at	38987_at
201420_s_at	38987_at
201416_at	33131_at
201403_s_at	39018_at
201397_at	34367_at
201391_at	1468_at
201387_s_at	36990_at
201386_s_at	35306_at
201380_at	40119_at
201375_s_at	924_s_at
201361_at	39693_at
201361_at	39694_at
201347_x_at	40133_s_at
201339_s_at	36688_at
201337_s_at	35783_at
201327_s_at	38416_at
201312_s_at	39714_at
201311_s_at	39714_at
201301_s_at	37374_at
201300_s_at	36159_s_at
201293_x_at	33667_at
201289_at	38772_at
201284_s_at	37401_g_at
201272_at	36589_at

201268_at	1980_s_at
201268_at	33415_at
201266_at	39425_at
201264_at	38647_at
201263_at	38473_at
201240_s_at	37359_at
201234_at	35365_at
201221_s_at	40875_s_at
201215_at	34793_s_at
201193_at	39023_at
201185_at	719_g_at
201161_s_at	39839_at
201155_s_at	34369_at
201153_s_at	34306_at
201152_s_at	34306_at
201151_s_at	34306_at
201150_s_at	1034_at
201150_s_at	1035_g_at
201149_s_at	1034_at
201149_s_at	1035_g_at
201148_s_at	1034_at
201148_s_at	1035_g_at
201147_s_at	1034_at
201147_s_at	1035_g_at
201146_at	853_at
201144_s_at	1154_at
201144_s_at	39784_at
201142_at	1154_at
201142_at	39784_at
201137_s_at	38095_i_at
201130_s_at	977_s_at
201127_s_at	40881_at
201120_s_at	38802_at
201115_at	1470_at
201108_s_at	115_at
201105_at	33412_at
201098_at	36677_at
201091_s_at	38084_at
201091_s_at	38085_at
201079_at	34885_at
201069_at	39007_at
201061_s_at	40419_at
201060_x_at	40419_at
201058_s_at	39145_at
201042_at	231_at
201042_at	38404_at
201040_at	37307_at
201037_at	39175_at
201022_s_at	38385_at
201021_s_at	38385_at

201020_at	1424_s_at
201014_s_at	39056_at
201013_s_at	39056_at
201005_at	39389_at
201001_s_at	36959_at
200996_at	35271_at
200986_at	39775_at
200985_s_at	39351_at
200982_s_at	39082_at
200974_at	32755_at
200971_s_at	37035_at
200970_s_at	37035_at
200968_s_at	35823_at
200931_s_at	36601_at
200930_s_at	36601_at
200923_at	37754_at
200911_s_at	40841_at
200910_at	40774_at
200907_s_at	41191_at
200906_s_at	41191_at
200904_at	32321_at
200903_s_at	40821_at
200897_s_at	41191_at
200894_s_at	38729_at
200889_s_at	34648_at
200886_s_at	41221_at
200884_at	40862_i_at
200884_at	40863_r_at
200863_s_at	36660_at
200859_x_at	32749_s_at
200859_x_at	32750_r_at
200836_s_at	242_at
200836_s_at	243_g_at
200836_s_at	32226_at
200835_s_at	242_at
200835_s_at	243_g_at
200835_s_at	32226_at
200823_x_at	33674_at
200820_at	1312_at
200820_at	32584_at
200813_s_at	32569_at
200808_s_at	36958_at
200807_s_at	37720_at
200806_s_at	37720_at
200803_s_at	33988_at
200803_s_at	33989_f_at
200801_x_at	32318_s_at
200801_x_at	AFFX-HSAC07/X00351_3_at
200801_x_at	AFFX-HSAC07/X00351_3_st
200801_x_at	AFFX-HSAC07/X00351_5_at

200801_x_at	AFFX-HSAC07/X00351_5_st
200801_x_at	AFFX-HSAC07/X00351_M_at
200795_at	36627_at
200790_at	1081_at
200790_at	36203_at
200788_s_at	32260_at
200778_s_at	40281_at
200762_at	40607_at
200750_s_at	1839_at
200750_s_at	38708_at
200750_s_at	1840_g_at
200715_x_at	35119_at
200700_s_at	39080_at
200698_at	39080_at
200696_s_at	32612_at
200693_at	409_at
200672_x_at	39556_at
200671_s_at	39556_at
200670_at	39755_at
200670_at	39756_g_at
200669_s_at	504_at
200665_s_at	671_at
200657_at	37740_r_at
200652_at	36147_at
200644_at	36174_at
200625_s_at	935_at
200622_x_at	955_at
200621_at	38700_at
200620_at	39033_at
200611_s_at	38736_at
200609_s_at	38736_at
200604_s_at	227_g_at
200604_s_at	41768_at
200082_s_at	34646_at
200074_s_at	31907_at
200068_s_at	40125_at
200066_at	218_at
200059_s_at	1394_at
200059_s_at	37309_at
200055_at	868_at
200052_s_at	36189_at
200024_at	32437_at
200015_s_at	40281_at
200008_s_at	35307_at

【図面の簡単な説明】

【 0 3 2 6 】

【図 1】図 1 は、ピアソン相関係数の計算による病理学者の推定パーセントの一致解析を示しているグラフを描写している。本図は、前立腺癌切片の解析に関する、4 名の病理学者間の一致を示している。合計 3 6 3 のランキングを解析した。任意のグラフに関して、y 軸および x 軸は、それぞれ、評価者（そのイニシャルが対角線パネル中に存在する）に

よって、水平および垂直に動かすことによって発見された、腫瘍上皮細胞であると推定された所定の組織切片のパーセントを与えている。対角線パネル下のヒストグラムが、 $y_{ij1k} - y_{ij2k}$ が 20% を越え、通常 < 5% である、いくつかの場合を示している。さらに、 k 統計値およびピアソン相関計数は全て高い。多くのレーティングが、< 5% 腫瘍細胞（対角線上のヒストグラム）を示しており、腫瘍細胞の存在対不在に関するよい試験であるとしている。

【図 2】図 2 は、サンプル特徴の三元グラフを示している。50 の非腫瘍および 38 の腫瘍含有標本を含む、41 名の個体からの、88 の前立腺摘除術サンプルが、腫瘍、BPH、間質および膨張嚢胞状腺管の、比例含量に関してスコア化されたことを示している。頂点は、純粋な組織型を示している。膨張嚢胞状腺管の上皮、神経および血管は小さな成分である。広い範囲の、腫瘍および間質細胞の割合に注意すること。推定された腫瘍パーセンテージは、0.3% ~ 100% の範囲であった。割合は、細胞関連遺伝子発現に関して、直線モデル（式 1 にて x_{kj} ）中で使用した。

【図 3】図 3 A ~ C は、統計学的モデリングを示している。（A）細胞型の回帰。予想された細胞型発現レベルは、画分細胞型（式 1）の直線関数として、遺伝子発現のモデルにおいて、係数 β であり、R 中の `lsfit` 関数を用いることによって計算された。改変 t 統計値を、 $t = \beta / (0.0029 + \beta_{se})$ として計算し、式中 se は、係数の標準偏差である。データのボルカノプロット表示は、グラフの上右部分中で、高い信頼性で、腫瘍細胞型に関連する遺伝子を明らかにする。（B）パーセンテージ間質、BPH および腫瘍における多重回帰が、間質の影響を超えて、腫瘍 - BPH の違いの直接の同定を可能にする。Efron et al. (J. Am. Stat. Assoc. 96, 1151 - 1160, 2001) と同類の事後確率は、推定方程式アプローチを用いた（R に関する `gee` ライブラリー）（R Development Core Team (2004)）。R: 統計学的コンピューティングに関する言語および環境。R Foundation for Statistical Computing, Vienna, Austria. ISBN 3-900051-07-0, URL <http://www.R-project.org>。BPH 特異的遺伝子発現は、上左（CK15 と記載）であり、腫瘍特異的遺伝子発現は、グラフの右上（チューブリン - β ）である。（C）腫瘍 - 間質相互作用モデル。直線モデルにおける、クロス乗積項を含めることにより、細胞の寄与が他の組織環境よりも多い、または少ない可能性があり、すなわち、総プロファイルへの個々の細胞型の寄与が、存在する他の型の割合に依存する、遺伝子が同定される。データは、腫瘍 - 間質クロス乗積、改変 t 統計値対確率（ y 軸）を示しており、順列変更改変 t 統計値と実際の値とを比較することによって、B のように計算された。グラフの上左部分は、正確な直線モデルからの、高い可能性偏差を有する、大多数の間質関連遺伝子を表している。グラフの右部分は、直線性から偏る、複数の腫瘍関連遺伝子を表している。これらのうち、低頻度の腫瘍においてでさえも、もっとも判別された腫瘍 / 非腫瘍遺伝子の一つである、TCR γ であり、すなわち、TCR γ の発現は、腫瘍細胞のみの割合によって予測されたものよりも大きい。より大きな偏差を有する間質遺伝子は、TGF- β 2 であり、前立腺癌における、候補パラクラインシグナル伝達分子である。

【図 4】図 4。LCM/qPCR での、GeneChip 解析の確認。6 つの前立腺標本を、レーザー・キャプチャー・顕微解剖（LCM）によって、各細胞型の単離に関して利用した。IHC によって確認されたいくつかの遺伝子（たとえば、チューブリン - β 、PSA、Desmin および Cytokeratin-15）を含む、ハウスキーピング遺伝子を含む、31 の選択された遺伝子に関するプライマーセットを、定量的 RT-PCR（qPCR）によって、標的遺伝子発現のアッセイに関して使用した。qPCR データを、変位値正規化にかけた。表 2 からの改変 t - 統計値と、qPCR によって得た比発現レベル間の非依存性を評価するために、Spearman Rank-Order 相関係数を、少なくとも 1 つの細胞型に対して、改変 t - 統計値 > 2.4 を有する 20 の遺伝子（すなわち、表 2 で含まれた遺伝子）に関して評価した。これらの相関係数の有意さ（ p 値）のレベルを、R からの対のサンプル（参考文献 11）間の、関連 / 相関に関する試験に

よって推定した。この解析によって、それぞれ、腫瘍、BPHおよび間質の細胞型に関して、 0.679 ($p = 0.0066$)、 0.602 ($p = 0.0029$) および 0.511 ($p = 0.0138$) の係数が算出された。したがって、qRT-PCR比発現レベルが、低可能性で、細胞型改変 t-統計値に相関し、GeneChipデータの解析から産生されたように、同様の遺伝子に関して決定する。グラフは、qPCRエンドポイント値（横座標）に対してたて座標にそって、改変 t-統計値をプロットする。