

(19) 日本国特許庁(JP)

(12) 特許公報(B2)

(11) 特許番号

特許第3935861号

(P3935861)

(45) 発行日 平成19年6月27日(2007.6.27)

(24) 登録日 平成19年3月30日(2007.3.30)

(51) Int. Cl.	F I	
<b>C O 7 K 16/18 (2006.01)</b>	C O 7 K 16/18	
<b>C 1 2 P 21/08 (2006.01)</b>	C 1 2 P 21/08	
<b>C 1 2 N 15/09 (2006.01)</b>	C 1 2 N 15/00	Z N A A
<b>C 1 2 N 15/02 (2006.01)</b>	C 1 2 N 15/00	C
<b>C O 7 K 1/22 (2006.01)</b>	C O 7 K 1/22	

請求項の数 47 (全 78 頁) 最終頁に続く

(21) 出願番号	特願2003-169309 (P2003-169309)	(73) 特許権者	000001856 三共株式会社 東京都中央区日本橋本町3丁目5番1号
(22) 出願日	平成15年6月13日(2003.6.13)	(74) 代理人	100090941 弁理士 藤野 清也
(62) 分割の表示	特願平10-543741の分割	(74) 代理人	100113837 弁理士 吉見 京子
原出願日	平成10年4月15日(1998.4.15)	(74) 代理人	100076244 弁理士 藤野 清規
(65) 公開番号	特開2004-41195 (P2004-41195A)	(72) 発明者	山口 京二 埼玉県大宮市島町702-12 ライオン ズガーデン 東大宮1-524
(43) 公開日	平成16年2月12日(2004.2.12)	(72) 発明者	保田 尚孝 栃木県河内郡南河内町緑2-3293-4 6
審査請求日	平成15年6月13日(2003.6.13)		最終頁に続く
(31) 優先権主張番号	特願平9-97808		
(32) 優先日	平成9年4月15日(1997.4.15)		
(33) 優先権主張国	日本国(JP)		
(31) 優先権主張番号	特願平9-151434		
(32) 優先日	平成9年6月9日(1997.6.9)		
(33) 優先権主張国	日本国(JP)		
(31) 優先権主張番号	特願平9-217897		
(32) 優先日	平成9年8月12日(1997.8.12)		
(33) 優先権主張国	日本国(JP)		

(54) 【発明の名称】 新規蛋白質及びその製造方法

(57) 【特許請求の範囲】

【請求項1】

下記の(a)乃至(e)に記載の性質を有する蛋白質に結合し、且つ100ng/ml以下の濃度において該蛋白質による破骨細胞形成活性を抑制する活性を示す抗体：

(a) 破骨細胞形成抑制因子(osteoclastogenesis inhibitory factor: OCIF)に特異的に結合する；

(b) SDS-ポリアクリルアミド電気泳動により、約30,000-40,000の分子量を示す；

(c) モノマータイプのOCIFとクロスリンクさせた複合蛋白質が、SDS-ポリアクリルアミド電気泳動により、約90,000-110,000の分子量を示す；

(d) 骨吸収促進因子存在下での骨芽細胞様ストローマ細胞と脾臓細胞共培養において、破骨細胞の分化、成熟を支持又は促進する活性を示す；

(e) 骨吸収促進因子の存在下で培養した骨芽細胞様ストローマ細胞上に発現する。

【請求項2】

10ng/ml以下の濃度において破骨細胞形成活性を抑制する活性を示す、請求項1記載の抗体。

【請求項3】

配列表の配列番号11に記載のアミノ酸配列からなる蛋白質に結合し、且つ、100ng/ml以下の濃度において該蛋白質による破骨細胞形成活性を抑制する活性を示す抗体。

【請求項4】

10ng/ml以下の濃度において破骨細胞形成活性を抑制する活性を示す、前記請求項3に

記載の抗体。

【請求項 5】

骨吸収抑制活性を有する、請求項 1 乃至請求項 4 のいずれか一つに記載の抗体。

【請求項 6】

モノクローナル抗体であることを特徴とする、請求項 1 乃至請求項 5 のいずれか一つに記載の抗体。

【請求項 7】

下記の ( a ) 乃至 ( e ) に記載の性質を有する蛋白質、又は、配列表の配列番号 17 に記載のアミノ酸配列からなる蛋白質との結合において、 $10^{-8}$  M 以下の解離定数を示すことを特徴とする、請求項 6 記載の抗体：

( a ) 破骨細胞形成抑制因子 ( osteoclastogenesis inhibitory factor : OCIF ) に特異的に結合する；

( b ) SDS - ポリアクリルアミド電気泳動により、約 30,000 - 40,000 の分子量を示す；

( c ) モノマータイプの OCIF とクロスリンクさせた複合蛋白質が、SDS - ポリアクリルアミド電気泳動により、約 90,000 - 110,000 の分子量を示す；

( d ) 骨吸収促進因子存在下での骨芽細胞様ストローマ細胞と脾臓細胞共培養において、破骨細胞の分化、成熟を支持又は促進する活性を示す；

( e ) 骨吸収促進因子の存在下で培養した骨芽細胞様ストローマ細胞上に発現する。

【請求項 8】

$10^{-10}$  乃至  $10^{-8}$  M の解離定数を示す、請求項 7 記載の抗体。

【請求項 9】

$10^{-10}$  M 以下の解離定数を示す、請求項 7 記載の抗体。

【請求項 10】

$10^{-11}$  乃至  $10^{-10}$  M の解離定数を示す、請求項 9 記載の抗体。

【請求項 11】

クラスが IgG<sub>1</sub> であり、且つ軽鎖が 鎖である、請求項 6 乃至請求項 10 のいずれか一つに記載の抗体。

【請求項 12】

以下の工程 1 ) および 2 ) を含むことからなる方法により得られる、下記の ( a ) 乃至 ( e ) に記載の性質を有する蛋白質、又は、配列表の配列番号 11 に記載のアミノ酸配列からなる蛋白質に結合し、且つ、100 ng/ml 以下の濃度において該蛋白質による破骨細胞形成活性を抑制する活性、及び、骨吸収抑制活性の両方又は何れか一方の活性を示す抗体：

( a ) 破骨細胞形成抑制因子 ( osteoclastogenesis inhibitory factor : OCIF ) に特異的に結合する；

( b ) SDS - ポリアクリルアミド電気泳動により、約 30,000 - 40,000 の分子量を示す；

( c ) モノマータイプの OCIF とクロスリンクさせた複合蛋白質が、SDS - ポリアクリルアミド電気泳動により、約 90,000 - 110,000 の分子量を示す；

( d ) 骨吸収促進因子存在下での骨芽細胞様ストローマ細胞と脾臓細胞共培養において、破骨細胞の分化、成熟を支持又は促進する活性を示す；

( e ) 骨吸収促進因子の存在下で培養した骨芽細胞様ストローマ細胞上に発現する；

1 ) 上記の ( a ) 乃至 ( e ) に記載の性質を有する蛋白質、又は、配列表の配列番号 11 に記載のアミノ酸配列からなる蛋白質に結合する抗体を作製する工程；

2 ) 破骨細胞形成抑制活性及び / 又は骨吸収抑制活性を示す抗体を選抜する工程。

【請求項 13】

配列表の配列番号 1 に記載のアミノ酸配列からなる蛋白質は認識しない、請求項 1 乃至 12 のいずれか一つに記載の抗体。

【請求項 14】

骨代謝異常を伴う疾患の治療に用いられる、請求項 1 乃至請求項 13 のいずれか一つに記載の抗体。

10

20

30

40

50

## 【請求項15】

骨代謝異常を伴う疾患が、骨粗鬆症、高カルシウム血症、骨ページェット病、腎性骨異常栄養症、慢性関節リウマチ及び変形性関節炎から選択される一つまたは複数である、請求項14記載の抗体。

## 【請求項16】

骨代謝異常による骨量減少症の治療に用いられる、請求項1乃至請求項13のいずれか一つに記載の抗体。

## 【請求項17】

配列表の配列番号17記載のアミノ酸配列からなる蛋白質を特異的に認識し、且つ、配列表の配列番号11記載のアミノ酸配列からなる蛋白質を認識するモノクローナル抗体。

10

## 【請求項18】

配列表の配列番号16記載のアミノ酸配列からなる蛋白質は認識しない、請求項17記載のモノクローナル抗体。

## 【請求項19】

配列表の配列番号1記載のアミノ酸配列からなる蛋白質は認識しない、請求項17又は18記載のモノクローナル抗体。

## 【請求項20】

配列表の配列番号16記載のアミノ酸配列からなる蛋白質および配列表の配列番号1記載のアミノ酸配列からなる蛋白質にも交差性を有している、請求項17記載のモノクローナル抗体。

20

## 【請求項21】

配列表の配列番号17に記載のアミノ酸配列からなる蛋白質との結合において、 $10^{-8}$ M以下の解離定数を示す、請求項17乃至請求項20のいずれか一つに記載のモノクローナル抗体。

## 【請求項22】

配列表の配列番号17に記載のアミノ酸配列からなる蛋白質との結合において、 $10^{-10}$ 乃至 $10^{-8}$ Mの解離定数を示す、請求項21記載のモノクローナル抗体。

## 【請求項23】

配列表の配列番号17に記載のアミノ酸配列からなる蛋白質との結合において、 $10^{-10}$ M以下の解離定数を示す、請求項21記載のモノクローナル抗体。

30

## 【請求項24】

配列表の配列番号17に記載のアミノ酸配列からなる蛋白質との結合において、 $10^{-11}$ 乃至 $10^{-10}$ Mの解離定数を示す、請求項23記載のモノクローナル抗体。

## 【請求項25】

100ng/ml以下の濃度において破骨細胞形成抑制活性を示す、請求項17乃至請求項24のいずれか一つに記載のモノクローナル抗体。

## 【請求項26】

10ng/ml以下の濃度において破骨細胞形成活性を抑制する活性を示す、請求項25記載のモノクローナル抗体。

## 【請求項27】

骨吸収抑制活性を有する、請求項17乃至請求項26のいずれか一つに記載のモノクローナル抗体。

40

## 【請求項28】

以下の工程1)および2)を含むことからなる方法により得られる、配列表の配列番号11に記載のアミノ酸配列からなる蛋白質に結合し、且つ100ng/ml以下の濃度において該蛋白質による破骨細胞形成活性を抑制する活性、及び、骨吸収抑制活性の両方又は何れか一方の活性を示すモノクローナル抗体：

1) 配列表の配列番号11に記載のアミノ酸配列からなる蛋白質に結合するモノクローナル抗体を作製する工程；

2) 破骨細胞形成抑制活性及び/又は骨吸収抑制活性を示すモノクローナル抗体を選抜す

50

る工程。

【請求項 29】

クラスがIgG<sub>1</sub>であり、且つ軽鎖が鎖である、請求項17乃至請求項28のいずれか一つに記載のモノクローナル抗体。

【請求項 30】

骨代謝異常を伴う疾患の治療に用いられる、請求項17乃至請求項29のいずれか一つに記載のモノクローナル抗体。

【請求項 31】

骨代謝異常を伴う疾患が、骨粗鬆症、高カルシウム血症、骨ページェット病、腎性骨栄養症、慢性関節リウマチ及び変形性関節炎から選択される一つまたは複数である、請求項30記載のモノクローナル抗体。

10

【請求項 32】

骨代謝異常による骨量減少症の治療に用いられる、請求項17乃至請求項29のいずれか一つに記載のモノクローナル抗体。

【請求項 33】

配列表の配列番号11に記載のアミノ酸配列を有する蛋白質を認識するが、配列表の配列番号1に記載のアミノ酸配列を有する蛋白質は認識しないモノクローナル抗体。

【請求項 34】

配列表の配列番号17に記載のアミノ酸配列を有する蛋白質との結合において $10^{-8}$ 以下の解離定数を示す、請求項33記載のモノクローナル抗体。

20

【請求項 35】

配列表の配列番号17に記載のアミノ酸配列を有する蛋白質との結合において $10^{-10}$ 以下の解離定数を示す、請求項34記載のモノクローナル抗体。

【請求項 36】

下記の(a)乃至(e)に記載の性質を有する蛋白質に $10^{-8}$ M以下の解離定数をもって結合し、且つ100ng/ml以下の濃度において該蛋白質による破骨細胞形成活性を抑制する活性を示す抗体：

(a) 破骨細胞形成抑制因子 (osteoclastogenesis inhibitory factor : OCIF) に特異的に結合する；

(b) SDS - ポリアクリルアミド電気泳動により、約30,000 - 40,000の分子量を示す；

30

(c) モノマータイプのOCIFとクロスリンクさせた複合蛋白質が、SDS - ポリアクリルアミド電気泳動により、約90,000 - 110,000の分子量を示す；

(d) 骨吸収促進因子存在下での骨芽細胞様ストローマ細胞と脾臓細胞共培養において、破骨細胞の分化、成熟を支持又は促進する活性を示す；

(e) 骨吸収促進因子の存在下で培養した骨芽細胞様ストローマ細胞上に発現する。

【請求項 37】

$10^{-10}$ M以下の解離定数をもって結合する、請求項36記載の抗体。

【請求項 38】

10ng/ml以下の濃度において破骨細胞形成活性を抑制する活性を示す、請求項36又は37記載の抗体。

40

【請求項 39】

配列表の配列番号17に記載のアミノ酸配列からなる蛋白質に $10^{-8}$ M以下の解離定数をもって結合し、且つ、100ng/ml以下の濃度において破骨細胞形成抑制活性を示すモノクローナル抗体。

【請求項 40】

配列表の配列番号17に記載のアミノ酸配列からなる蛋白質に $10^{-10}$ M以下の解離定数をもって結合する、請求項39記載のモノクローナル抗体。

【請求項 41】

10ng/ml以下の濃度において破骨細胞形成活性を抑制する活性を示す、請求項39又は40記載のモノクローナル抗体。

50

## 【請求項 4 2】

骨吸収抑制活性を有する、請求項39乃至請求項41のいずれか一つに記載のモノクローナル抗体。

## 【請求項 4 3】

配列表の配列番号17に記載のアミノ酸配列からなる蛋白質に $10^{-8}$ M以下の解離定数をもって結合するモノクローナル抗体。

## 【請求項 4 4】

配列表の配列番号17に記載のアミノ酸配列からなる蛋白質に $10^{-10}$ M以下の解離定数をもって結合するモノクローナル抗体。

## 【請求項 4 5】

100ng/ml以下の濃度において破骨細胞形成抑制活性を示す、請求項43又は44記載のモノクローナル抗体。

## 【請求項 4 6】

10ng/ml以下の濃度において破骨細胞形成抑制活性を示す、請求項45記載のモノクローナル抗体。

## 【請求項 4 7】

骨吸収抑制活性を有する、請求項43乃至請求項48のいずれか一つに記載のモノクローナル抗体。

## 【発明の詳細な説明】

## 【0001】

## 【発明の属する技術分野】

本発明は、破骨細胞形成抑制因子(osteoclastogenesis inhibitory factor;以下、OCIFとすることがある)に結合する新規な蛋白質(OCIF結合分子;以下OBMとすることがある)、及びその製造方法に関する。

また本発明は、該蛋白質をコードするDNA、このDNAによりコードされるアミノ酸配列を有する蛋白質、該蛋白質を遺伝子工学的に製造する方法、及び該蛋白質を含有する医薬組成物に関する。

さらに本発明は、該蛋白質及びそのDNAを用いた、該蛋白質の発現を調節する物質、該蛋白質の生物活性を阻害又は修飾する物質、あるいは該蛋白質と結合しその作用を伝達するレセプターのスクリーニング方法、これにより得られた物質、及び得られた物質を含有する

医薬組成物に関する。

またさらに本発明は、該蛋白質に対する抗体、その製造方法、それを用いた該蛋白質の測定方法、及び抗体を含有する医薬に関する。

## 【0002】

## 【従来技術】

骨代謝は、骨形成を担当する骨芽細胞と骨吸収を担当する破骨細胞の、総合された活性に依存している。骨代謝異常は、骨形成と骨吸収の均衡が崩れることにより発生すると考えられている。骨代謝の異常を伴う疾患としては、骨粗鬆症、高カルシウム血症、骨ページェット病、腎性骨異常栄養症、慢性関節リウマチ、及び変形性関節炎などが知られている。これらの骨代謝異常疾患の代表として骨粗鬆症が挙げられる。この疾患は、破骨細胞による骨吸収が骨芽細胞による骨形成を上まわることにより発生する疾患であり、骨の石灰質と骨基質とが等しく減少することを特徴とする。この疾患の発生メカニズムについては未だ完全には解明されていないが、骨の疼痛が発生し、骨の脆弱化による骨折が起こる疾患である。高齢人口の増加に伴い、骨折による寝たきり老人の原因となり、この疾患は社会問題にもなっており、その治療薬の開発が急務となっている。このような骨代謝異常による骨量減少症は、骨形成の促進、骨吸収の抑制、あるいはこれらのバランスの改善により治療できることが期待される。即ち、骨形成は、骨形成を担当する骨芽細胞の増殖、分化、機能を促進すること、破骨細胞前駆細胞からの破骨細胞への分化、成熟を抑制すること、あるいは破骨細胞の骨吸収活性などの機能を抑制することにより促進されると期待される。このような活性を有するホルモン、低分子物質、あるいは生理活性蛋白質について

10

20

30

40

50

、現在精力的な探索及び開発研究が進められている。

【0003】

すでに、骨に関わる疾患の治療及び治療期間の短縮を図る医薬品として、カルシトニン製剤、活性型ビタミンD<sub>3</sub>製剤、エストラジオールを含有するホルモン製剤、イプリフラボン、ビタミンK<sub>2</sub>、ビスフォスフォネート系化合物などがあり、さらに、より副作用が少なく、有効性に優れた治療薬の開発を目指して活性型ビタミンD<sub>3</sub>誘導体、エストラジオール誘導体、第2世代または第3世代のビスフォスフォネート系化合物などの臨床試験が実施されている。

【0004】

しかし、これらの薬剤を用いた治療法は、その効果並びに治療結果において必ずしも満足出来るものではなく、より安全かつ有効性の高い新しい治療薬の開発が期待されている。また、骨代謝疾患の治療に使用されている薬剤の中には、その副作用により治療可能な疾患が限定されているものもある。更に現在、骨粗鬆症などの骨代謝疾患の治療には、複数の薬剤を同時に使用する多剤併用療法が主流になってきている。このような観点から、従来の医薬品とは異なった作用メカニズムを持ち、しかもより有効性が高くかつ副作用の少ない医薬品の開発が期待されている。

【0005】

前述したように、骨代謝を担当する細胞は骨芽細胞と破骨細胞である。これらの細胞は互いに密接に相互作用していることが知られており、この現象はカップリングと呼ばれている。即ち、破骨細胞の分化、成熟には骨芽細胞様ストローマ細胞が分泌するサイトカイン類、インターロイキン1(IL-1)、3(IL-3)、6(IL-6)、11(IL-11)、顆粒球マクロファージコロニー刺激因子(GM-CSF)、マクロファージコロニー刺激因子(M-CSF)、インターフェロンガンマ(IFN)、腫瘍壊死因子(TNF)、トランスフォーミング増殖因子(TGF)などが促進的又は抑制的に作用することが報告されている(非特許文献1;非特許文献2;非特許文献3;非特許文献4)。骨芽細胞様ストローマ細胞は、未熟な破骨細胞前駆細胞や破骨細胞との細胞間接着により、それぞれ破骨細胞の分化、成熟や成熟破骨細胞による骨吸収などの機能発現に重要な役割を演じていることが知られている。この細胞間接着による破骨細胞形成に関与する因子として、骨芽細胞様ストローマ細胞の膜上に発現される破骨細胞分化誘導因子(osteoclast differentiation factor, ODF)(非特許文献5;非特許文献6)という分子が仮想されており、この仮説によれば破骨細胞の前駆細胞にODFのレセプターが存在している。

しかし、ODF及びこのレセプターとも未だ精製及び同定されておらず、それらの性質、作用機作、及び構造に関する報告もない。このように、破骨細胞の分化、成熟のメカニズムは未だ十分に解明されておらず、このメカニズムの解明は基礎医学領域に多大な貢献をするだけでなく、新しい作用メカニズムに基づく新規な骨代謝異常症治療薬の開発にも貢献することが期待される。

【0006】

本発明者らは、このような状況に鑑み鋭意探索を進めた結果、ヒト胎児肺線維芽細胞、IMR-90(ATCC CCL186)の培養液中に破骨細胞形成抑制因子(osteoclastogenesis inhibitory factor, OCIF)を見出した(特許文献1)。

さらに、本発明者らは、OCIFのDNAクローニング、動物細胞を用いた遺伝子組み換え型OCIFの生産、遺伝子組み換え型OCIFによるin vivo薬効(骨代謝改善効果)の確認などに成功した。OCIFは、従来の医薬品よりも有効性が高くかつ副作用が少ない、骨代謝異常に関連する疾患の予防及び治療剤として期待されている。

【0007】

【特許文献1】

W096/26217号

【非特許文献1】

Raisz: Disorders of Bone and Mineral Metabolism, 287-311, 1992

【非特許文献2】

10

20

30

40

50

Suda et al.: Principles of Bone Biology, 87-102, 1996

【非特許文献3】

Suda et al.: Endocrine Reviews, 4, 266-270, 1955

【非特許文献4】

Lacey et al.: Endocrinology, 186, 2369-2376, 1995

【非特許文献5】

Suda et al.: Endocrine Rev. 13, 66-80, 1992

【非特許文献6】

Suda et al.: Bone 17, 87S-91S, 1995

【0008】

10

【発明が解決しようとする課題】

本発明者らは破骨細胞形成抑制因子OCIFを用い、その結合蛋白質の存在を鋭意探索した結果、OCIF結合蛋白質が活性型ビタミンD<sub>3</sub>や副甲状腺ホルモン(parathyroid hormone, PTH)などの骨吸収促進因子の存在下で培養した骨芽細胞様ストローマ細胞上に特異的に発現することを見出した。さらに、このOCIF結合蛋白質の性質及びその生理的機能を調べたところ、該蛋白質は未熟な破骨細胞前駆細胞からの破骨細胞への分化、成熟に關与する、いわゆる破骨細胞分化、成熟を支持又は促進する因子としての生物活性を有していることを見出し、本発明を成すに至った。さらに、本発明蛋白質につき研究を重ねた結果、この新規な膜蛋白質は骨芽細胞様ストローマ細胞と脾臓細胞との共培養系において、骨芽細胞様ストローマ細胞による未熟な破骨細胞前駆細胞からの破骨細胞への分化、成熟を担う重要な蛋白質であることを明らかにした。本発明における破骨細胞の分化、成熟を支持又は促進する因子としての蛋白質の同定及びその単離精製の成功により、本発明蛋白質を利用した、生体の骨代謝機構に基づいた新規な骨代謝異常症治療薬のスクリーニングを可能にした。

20

【0009】

従って本発明は、破骨細胞形成抑制因子OCIFに結合する新規な蛋白質(OCIF結合分子;OBM)、及びその製造方法を提供することを課題とする。また本発明は、該蛋白質をコードするDNA、このDNAによりコードされるアミノ酸配列を有する蛋白質、該蛋白質を遺伝子工学的に製造する方法、及び該蛋白質を含有する医薬組成物を提供することを課題とする。また、該蛋白質を含有する骨代謝異常症予防及び/又は治療剤を提供することを課題とする。さらに本発明は、該蛋白質を及びそのDNAを用いた、該蛋白質の発現を調節する物質、該蛋白質の生物活性を阻害又は修飾する物質、あるいは該蛋白質と結合しその作用を伝達するレセプターのスクリーニング方法、これにより得られた物質、及び得られた物質を含有する医薬組成物を提供することを課題とする。またさらに本発明は、該蛋白質に対する抗体、その製造方法、それを用いた該蛋白質の測定方法、及び抗体を含有する医薬を提供することを課題とする。

30

【0010】

本発明蛋白質は、以下の物理化学的性質及び生物活性を示す。

即ち、

- a. 親和性:破骨細胞形成抑制因子(osteoclastogenesis inhibitory factor; OCIF)に特異的に結合し、高い親和性(細胞膜上での解離定数、Kd値が $10^{-9}$ M以下)を有する。
- b. 分子量:非還元条件下におけるSDS ポリアクリルアミド電気泳動による分子量測定で、約30,000-40,000の分子量を示し、又、モノマータイプのOCIFとクロスリンクさせた場合の見かけ上の分子量は、約90,000-110,000を示す。
- c. 生物活性:活性型ビタミンD<sub>3</sub>及び副甲状腺ホルモン(PTH)などの、骨吸収促進因子の存在下でのマウス骨芽細胞様ストローマ細胞とマウス脾臓細胞共培養において、破骨細胞の分化、成熟を支持又は促進する活性を有する。

40

破骨細胞形成の代表的なインビトロ培養系として、活性型ビタミンD<sub>3</sub>あるいはPTH存在下でのマウス由来骨芽細胞様ストローマ細胞株・ST2とマウス脾臓細胞との共培養系がよく知られている。本発明蛋白質の発現細胞は活性型ビタミンD<sub>3</sub>存在あるいは非存在下でそれ

50

ぞれ培養したマウス骨芽細胞様ストローマ細胞あるいはマウス脾臓細胞へのOCIFの結合性を試験することにより調べることができる。

#### 【0011】

本発明蛋白質は、活性型ビタミンD<sub>3</sub>やPTHのような骨吸収促進因子の存在下で培養した骨芽細胞様ストローマ細胞上に特異的に誘導される蛋白質として特定される。又、活性型ビタミンD<sub>3</sub>存在下の上記共培養系にOCIFを添加することにより1から40ng/mlの範囲で用量依存的に破骨細胞の形成が阻害されること、活性型ビタミンD<sub>3</sub>存在下でST2細胞上に誘導される本発明蛋白質の発現の経時変化と破骨細胞形成の経時変化とがよく相関すること、又、ST2細胞に発現される本発明蛋白質の多寡とST2細胞による破骨細胞形成支持能の強弱が一致し、ST2細胞上の本発明蛋白質にOCIFが結合することにより破骨細胞形成が完全に抑制されることから、本発明蛋白質は破骨細胞の分化、成熟を支持又は促進する生物活性(作用)を有する蛋白質として特定される。

10

#### 【0012】

本発明蛋白質のOCIFに対する親和性は、OCIFを標識し、その標識体の動物細胞膜表面への結合性を試験することによって評価することができる。OCIFは、放射性同位元素による標識や蛍光標識などのような通常の蛋白質標識法を用いることによって標識することができる。例えば、OCIFの放射性同位元素による標識としてはチロシン残基の<sup>125</sup>I標識が挙げられ、ヨードジェン法、クロラミンT法、及び酵素法などの標識法を利用することができる。このようにして得た標識OCIFを用いた、OCIFの動物細胞膜表面への結合性試験は常法に従い実施でき、又、結合性試験に用いる培地に標識OCIFの100倍から400倍濃度未標識OCIFを添加することにより、非特異的な結合量を測定することができる。OCIFの特異的結合量は、標識OCIFの総結合量から非特異的な結合量を差し引くことにより算出される。細胞膜上に発現された本発明蛋白質の親和性は標識OCIFの添加量を変えて試験を行い、特異的結合量をScatchard plotで解析することによって評価される。このようにして求められた、本発明蛋白質のOCIFに対する親和力は約100-500pMであり、本発明蛋白質はこのように破骨細胞形成抑制因子OCIFに高い親和性(細胞膜上での解離定数、Kd値が10<sup>-9</sup>M以下)を有する蛋白質として特定される。OBMの分子量は、ゲル濾過クロマトグラフィーやSDS-PAGE等を用いて測定される。より正確に分子量を測定するためにはSDS-PAGEを用いるのが好ましく、OBMは還元条件下で約40,000 (40,000 ± 4,000)の分子量を有する蛋白質として特定される。

20

30

#### 【0013】

本発明蛋白質は、マウス骨芽細胞様ストローマ細胞株ST2、マウス前脂肪細胞株PA6、その他のヒト骨芽細胞様細胞株、あるいはヒト、マウス、ラットなどの哺乳動物から採取し濃縮した骨芽細胞様細胞などから得ることができる。又、これらの細胞に本発明蛋白質を発現させるために必要な誘導物質としては、活性型ビタミンD<sub>3</sub>(Calcitriol)、副甲状腺ホルモン(PTH)、インターロイキン(IL) 1、IL-6、IL-11、オンコスタチンM及び白血病細胞増殖抑制因子LIFなどの骨吸収促進因子が挙げられる。又、これらの誘導物質の添加濃度としては、活性型ビタミンD<sub>3</sub>やPTHでは、10<sup>-8</sup>M、IL-11やオンコスタチンMではそれぞれ10ng/ml及び1ng/ml、IL-6では20ng/mlのIL-6と500ng/mlのIL-6可溶性レセプターを用いるのが望ましい。好ましくは、マウス骨芽細胞様ストローマ細胞株ST2を用い、10<sup>-8</sup>M活性型ビタミンD<sub>3</sub>、10<sup>-7</sup>Mデキサメサゾン、及び10%牛胎児血清を添加したMEM中で一週間以上培養してコンフルエントにした細胞を用いるとよい。このようにして培養した細胞はセルスクレイパーなどを用いて剥離させ、回収するとよい。又、回収した細胞は使用するまでの間 80 で保存しておくことができる。

40

#### 【0014】

本発明蛋白質は、このようにして回収した細胞の膜画分から精製すると効率良く精製することができる。膜画分の調製は、細胞内器官の分画に利用される通常の方法に従って行うことができる。膜画分の調製に使用する緩衝液には、好ましくは各種プロテアーゼ阻害剤を添加するとよい。添加するプロテアーゼ阻害剤としては、例えばPMSF、APMSF、EDTA、0フェナントロリン、ロイペプチン、ペプスタチンA、アプロチニン、大豆トリプシンイ

50

ンヒビターなどのセリンプロテアーゼ阻害剤、チオールプロテアーゼ阻害剤、及びメタロプロテアーゼ阻害剤などが挙げられる。細胞の破碎には、Daunceホモジナイザー、ポリトロンホモジナイザー、超音波破碎装置などを用いることが出来る。破碎した細胞は0.5Mシクロロスを加えた緩衝液に懸濁させ、600×gで10分間遠心分離することにより、細胞核と未破碎の細胞を沈殿画分として分離することができる。遠心分離で得た上清を150,000×gで90分間遠心分離することにより、沈殿画分として膜画分を得ることが出来る。このようにして得た膜画分を各種の界面活性剤で処理することにより、細胞膜に存在する本発明蛋白質を効率良く可溶化し、抽出することができる。可溶化に用いる界面活性剤としては、細胞膜蛋白質の可溶化に一般的に使用されている各種界面活性剤、例えばCHAPS(3 [

10

#### 【0015】

このようにして得られた可溶化膜画分からの本発明蛋白質の精製は、OCIFを固定化したカラム、ゲル、樹脂などを用いて効率よく精製することができる。固定化に使用するOCIFとしては、W096/26217号公報記載の方法に従って、ヒト胎児肺線維芽細胞株IMR-90の培養液から単離したもの、あるいは遺伝子工学的的手法により得られたもの(rOCIF)を使用することができる。これらのrOCIFは、ヒト、ラット、あるいはマウスのcDNAを常法に従って発現ベクターに組み込み、CHO細胞、BHK細胞、Namalwa細胞などの動物細胞あるいは昆虫細胞などで発現させ、精製することによって得ることができる。このようにして得られたOCIFは、分子量約60kDa(モノマー型)と120kDa(ダイマー型)の分子量を示すが、固定化に用いるOCIFとしては、好ましくはダイマー型OCIFを用いる。OCIFを固定化するためのゲル、樹脂としてはECHセファロース4B、EAHセファロース4B、チオプロピルセファロース6B、CN Br 活性化セファロース4B、活性化CHセファロース4B、エポキシ活性化セファロース6B、活性化チオールセファロース4B(以上、ファルマシア社)、TSKgel AF エポキシトヨパール650、TSKgel AF アミノトヨパール650、TSKgel AF フォルミルトヨパール650、TSKgel AF カルボキシトヨパール650、TSKgel AF トレシルトヨパール650(以上、トーソー社)、アミノ-セルロファイン、カルボキシ-セルロファイン、FMP活性化セルロファイン、フォルミル-セルロファイン(以上、生化学工業社)、アフィゲル10、アフィゲル15、アフィプレップ10(以上、BioRad社)などを用いることができる。又、OCIFを固定化するためのカラムとしてはHiTrap NHS-activatedカラム(ファルマシア社)、TSKgel Tresyl-5PW(トーソー社)などを用いることができる。HiTrap NHS-activatedカラム(1ml,ファルマシア社)を用いたOCIFの固定化法として、具体的には以下の方法を挙げることができる。即ち、OCIF 13.0 mgを含む0.2M NaHCO<sub>3</sub>/0.5M NaCl(pH8.3)溶液1mlをカラムに添加し、室温で30分間カップリング反応させる。

20

30

#### 【0016】

次いで、0.5Mエタノールアミン/0.5M NaCl(pH8.3)と0.1M酢酸/0.5M NaCl(pH4.0)を流し、再度0.5Mエタノールアミン/0.5M NaCl(pH8.3)に置き換え、室温で1時間放置し、過剰な活性基を不活性化する。その後、0.5Mエタノールアミン/0.5M NaCl(pH8.3)と0.1M酢酸/0.5M NaCl(pH4.0)で2度洗浄し、50mM Tris/1 M NaCl/0.1%CHAPS緩衝液(pH7.5)で置換することにより、OCIF固定化カラムを作製することができる。このようにして作製したOCIF固定化カラムやOCIF固定化ゲルあるいは樹脂などを用い、本発明蛋白質を効率よく精製することができる。本発明蛋白質の分解を抑制するために、精製に用いる緩衝液にも上記の各種プロテアーゼ阻害剤を添加するとよい。本発明蛋白質は、上記の可溶化膜画分をOCIF固定化カラムに負荷する、あるいはOCIF固定化ゲル、樹脂などと混ぜて攪拌することによって吸着させ、酸、各種蛋白質変性剤、カゴジレートバッファーなどによってOCIF固定化カラム、ゲル、あるいは樹脂などから溶出することができる。好ましくは、本発明蛋白質の変性を最小限に抑えるため、酸を用いて溶出し直ちに中和するとよい。溶出に用いる酸性緩衝

40

50

液としては、例えば0.1Mグリシン-塩酸緩衝液(pH3.0)、0.1Mグリシン-塩酸緩衝液(pH2.0)、及び0.1Mクエン酸ナトリウム緩衝液(pH2.0)などを用いることができる。

【0017】

このようにして精製した本発明蛋白質は、生物試料からの蛋白質の精製に汎用される通常の方法を用いて、本発明蛋白質の物理化学的性質を利用した各種の精製操作により更に精製することができる。本発明蛋白質溶液の濃縮には限外濾過、凍結乾燥及び塩析など、通常、蛋白質の精製過程で用いられる手法が挙げられる。

好ましくは、Centricon 10(BioRad社)などを用いた遠心による限外濾過を用いるのが良い。又、精製手段としては、イオン交換クロマトグラフィー、ゲル濾過クロマトグラフィー、疎水クロマトグラフィー、逆相クロマトグラフィー、調製用電気泳動などを用いた通常 10  
の蛋白質の精製に利用される各種の手法を組み合わせ用いることができる。より具体的には、Superose 12カラム(ファルマシア社)などを用いたゲル濾過クロマトグラフィーや逆相クロマトグラフィーを組み合わせ用いることにより、本発明蛋白質を純化することが可能である。又、精製過程中的本発明蛋白質の同定は、固定化OCIFとの結合活性あるいはOCIFとの結合物を抗OCIF抗体による免疫沈降後、SDS ポリアクリルアミド電気泳動(SDS-PAGE)で分析することにより検出できる。

このようにして得られた本発明蛋白質は、その活性より骨代謝異常症、例えば大理石病などの治療剤としての医薬、あるいは研究・診断用試薬として有用である。

【0018】

また本発明は、破骨細胞形成抑制因子OCIFに結合する新規な蛋白質(OCIF結合分子;OBM)を 20  
コードするDNA、そのDNAによりコードされるアミノ酸配列を有する蛋白質、それを用いてOCIFに特異的に結合する蛋白質を遺伝子工学的に製造する方法、及び該蛋白質を含有する骨代謝治療剤に関する。さらに本発明は、OBMの発現を調節する物質のスクリーニング方法、OBMと結合しその作用を阻害又は修飾する物質のスクリーニング方法、OBMと結合しOBMの作用を伝達するレセプターのスクリーニング方法、これらのスクリーニングの結果得られた物質を含有する医薬組成物に関する。

【0019】

本発明のDNAによりコードされる新規蛋白質OBMは、以下の物理化学的性質及び生物活性を示す。

即ち、

- a. 破骨細胞形成抑制因子(OCIF)に特異的に結合する。
  - b. 還元条件下におけるSDS-PAGEによる分子量測定で、約40,000(±4,000)の分子量を示す。又、モノマータイプのOCIFとクロスリンクさせた場合の見かけ上の分子量は約90,000-10,000である。
  - c. 破骨細胞の分化、成熟を支持、促進する活性を有する。
- ものである。

【0020】

本発明のOCIF結合分子、OBMをコードするDNAを同定し、OBMの性質を評価するためのプローブとして使用するヒト破骨細胞形成抑制因子(OCIF)は、W096/26217号に従ってヒト胎児性線維芽細胞株IMR-90の培養液から単離することができる。OBMのDNAの単離、同定には、 40  
遺伝子組換え型ヒトOCIF、遺伝子組換え型マウスOCIF、遺伝子組換え型ラットOCIF等を用いることもできる。これらの遺伝子組換え型OCIFはそれぞれのDNAを常法に従って発現ベクターに組み込み、CHO細胞、BHK細胞、Namalwa細胞等の動物細胞あるいは昆虫細胞などで発現させ、精製することによって得ることができる。

【0021】

目的の蛋白質をコードするcDNAを分離する(cDNAクローニング)方法としては、その蛋白質の部分アミノ酸配列を決定しそれに対応する塩基配列をもとにハイブリダイゼーション法により目的のcDNAを単離する方法の他に、蛋白質のアミノ酸配列が不明であっても発現ベクター中にcDNAライブラリーを構築し、それらを細胞中に導入し、目的の蛋白質の発現の有無をスクリーニングすることにより、目的のcDNAを単離する方法(発現クローニング法) 50

がある(D'Andrea et al.: Cell 57, 277-285, 1989; Fukunaga et al.: Cell 61, 341-350, 1990)。

発現クローニング法では、宿主細胞として細菌、酵母、動物細胞などが目的に応じて使い分けられている。本発明のように動物細胞の膜表面に存在すると考えられる蛋白質をコードするcDNAをクローニングする際には、動物細胞を宿主とする場合が多い。又、DNAの導入効率が高く、導入されたDNAの発現効率の高い宿主が通常使用される。そのような特徴を持つ細胞のひとつが、本発明で用いたサル腎臓細胞COS-7細胞である。COS-7細胞ではSV40 large T antigenが発現しているため、SV40の複製開始点を持つプラスミドは細胞中で多コピーのエピソームとして存在するようになり、通常より高発現が期待できる。又、DNAを導入した時点から数日のうちに最高の発現レベルに到達するので迅速なスクリーニングに適している。この宿主細胞に高発現可能なプラスミドを組み合わせることによって、極めて高レベルの遺伝子発現が可能となる。プラスミド上で最も遺伝子の発現量に影響を与える因子はプロモーターであり、高発現用のプロモーターとしてSR プロモーターやサイトメガロウィルス由来プロモーター等がよく使用される。

#### 【0022】

発現クローニングにより膜蛋白質のcDNAをクローニングしようとする際のスクリーニング法として、バインディング法(binding法)、パニング法(panning法)、フィルムエマルジョン法などが考案されている。

本発明は、発現クローニング法とバインディング法を組み合わせることによって得たOCIFに特異的に結合する蛋白質(OBM)をコードするDNA及び発現蛋白質、及びDNA又は発現蛋白質を用いた生理活性物質のスクリーニングに関する。本発明のDNAがコードするOBMは、OCIFを標識し、その標識体の動物細胞膜表面への結合性を試験することによって検出することができる。OCIFの標識法としては、放射性同位元素による標識や蛍光標識等、一般的な蛋白質の標識法を用いることができる。例えば、OCIFの放射性同位元素による標識としてはチロシン残基の<sup>125</sup>I標識が挙げられ、具体的標識法としてヨードジェン法、クロラミンT法及び酵素法等がある。OCIFの動物細胞膜表面への結合性はこのようにして得た標識OCIFを用い、常法に従った方法で試験できる。又、結合性の試験に用いる培地に標識OCIFの100倍から400倍濃度の未標識OCIFを添加することにより、非特異的な結合量を測定できる。OCIFの特異的結合量は、標識OCIFの総結合量から非特異的な結合量を差し引くことにより算出される。

#### 【0023】

本発明者らは、破骨細胞の分化に関与する因子はOCIFと相互作用するとの仮定のもと、遺伝子組み換え型OCIFを用い、OCIFが結合する蛋白質を分離するため、マウス骨芽細胞様ストローマ細胞株ST2のmRNAから作製した発現ライブラリーを以下に述べる方法でスクリーニングした。ST2mRNAをもとに合成したDNAを動物細胞用発現ベクターに挿入し、それらをサル腎臓細胞COS-7細胞に遺伝子導入した。<sup>125</sup>I標識したOCIFをプローブとして用いてCOS-7細胞上に発現した目的の蛋白質をスクリーニングした。その結果、OCIFと特異的に結合する蛋白質をコードするDNAを分離するに至り、このOCIF結合分子(OCIF結合分子;OBM)をコードするDNAの塩基配列を決定した。又、このDNAにコードされるOBMは細胞膜上でOCIFと強くしかも特異的に結合することを見出した。

#### 【0024】

本発明でいう比較的温和な条件でのDNAハイブリダイゼーションとは、例えば常法に従いナイロンメンブレンにDNAをトランスファーし固定化した後、ハイブリダイゼーション用バッファー中で放射線標識したプローブのDNAと40~70℃、2時間~1晩程度ハイブリダイゼーションさせ、0.5×SSC(0.075M塩化ナトリウム及び0.0075Mクエン酸ナトリウム)で45分洗浄する条件を言う。具体的には、常法に従い、ナイロンメンブレンにハイボンドN(アマシャム社)を用い、DNAをトランスファーし固定化した後、Rapid Hybridization Buffer(アマシャム社)中で<sup>32</sup>P標識したプローブのDNAと65℃、2時間ハイブリダイゼーションさせて、0.5×SSC(0.075M塩化ナトリウム及び0.0075Mクエン酸ナトリウム)で45分洗浄する条件を言う。

10

20

30

40

50

## 【0025】

破骨細胞形成の代表的なインビトロ培養系として、活性型ビタミンD<sub>3</sub>あるいはPTHの存在下でのマウス由来骨芽細胞様ストローマ細胞株、ST2とマウス脾臓細胞との共培養系がよく知られている。本発明のOBMは活性型ビタミンD<sub>3</sub>やPTHのような骨吸収促進因子の存在下で培養した骨芽細胞様ストローマ細胞上に特異的に誘導される蛋白質として特定される。更に、活性型ビタミンD<sub>3</sub>あるいはPTH非存在下でもマウス脾臓細胞の培養系に本発明のDNAによりコードされる蛋白質を添加することによって破骨細胞の形成が促進されることから、本発明のDNAによりコードされるOBMは破骨細胞の分化、成熟に関与していると考えられる。

## 【0026】

本発明のDNAを発現ベクターに挿入してOBM発現プラスミドを作製し、これを各種の細胞又は菌株に導入して発現させることにより、組み換え型OBMを製造することができる。発現させる際の哺乳動物細胞の宿主としてCOS-7、CHO、Namalwaなど、又は細菌の宿主として大腸菌などを、用いることができる。その際、DNAの全長を用いて膜結合型蛋白質として発現させる、あるいは膜結合部位をコードする部分を除去することにより分泌型、可溶性型としても発現させることができる。このようにして製造された組み換え型OBMは、通常用いられる蛋白精製法、例えばOCIF固定化カラムを用いたアフィニティークロマトグラフィー、イオン交換クロマトグラフィー、あるいはゲル濾過クロマトグラフィーなどを組み合わせることにより、効率よく精製することができる。このようにして得られた本発明蛋白質は、その活性より骨代謝異常症、例えば大理石病などの治療剤としての医薬、あるいは研究・診断用試薬として有用である。

## 【0027】

本発明のDNAにコードされる蛋白質OBMを利用して、(1)OBMの発現を調節する物質のスクリーニング、(2)OBMに特異的に結合し、OBMの生物活性を阻害、あるいは修飾する物質のスクリーニング、及び(3)破骨細胞前駆細胞に存在し、OBMの生物活性を伝達する蛋白質(OBMレセプター)のスクリーニング、更にはこのOBMレセプターを利用したアンタゴニストやアゴニストの開発が可能である。上述のOBMあるいはOBMレセプターを用いたコンビナトリアルケミストリーにおいて、アンタゴニストあるいはアゴニストの探索に必要なペプチドライブラリーは具体的に以下の方法で作製することができる。その一つに、スプリット法がある

(Lam et al.; Nature 354, 82-84, 1991)。この方法は、合成担体(ビーズ)にそれぞれのアミノ酸(ユニット)を結合させたものを各ユニットごと別々に合成する。この合成された担体を一度すべて混ぜ、次にユニットの数に等分し、次のユニットをまた各々結合させる。この操作をn回繰り返すことにより、担体にn個のユニットが結合したライブラリーが作製される。このように合成を行うと一つの担体群には、1種類の配列しか合成されないのので、本発明の蛋白質を用いた上記のスクリーニング法で陽性を示した担体群を選びだし、そのアミノ酸配列を決定すれば、特異的に結合するペプチドを同定することができる。又、別の方法としてファージディスプレイ法を用いることもできる。この方法はランダムなペプチドをコードする合成遺伝子をファージで発現させるもので、上記合成ライブラリーに比べ、ライブラリー中の分子数を多くできるという利点があるものの、ファージが嫌う配列はライブラリーに存在し得ないことなどがあり、分子数当たりの多様性が低いという欠点がある。ファージディスプレイ法でも同様に、本発明の蛋白質を用いたスクリーニング系を利用し、それに特異的に結合するファージをパニングにより濃縮し、得られた特異的結合性を有するファージを大腸菌で増幅し、そのペプチドをコードする塩基配列を決定すればよい。更に、前記(2)及び(3)のスクリーニング系を使用し、ペプチドライブラリーからOBMあるいはOBMレセプターに特異的かつ高親和性のペプチドをスクリーニングしたい場合、スクリーニング時にそれぞれOCIFやOBMを共存させ、それぞれの濃度を上げながら、陽性を示した担体あるいはファージをスクリーニングすることにより、特異的かつ極めて高親和性のペプチドを得ることができる。例をあげれば、すでに造血ホルモンであるエリスロポエチン(EPO)のレセプターを用い、多様性に富んだペプチドライブラリーから

10

20

30

40

50

のEPO様活性を有する低分子ペプチドアゴニストのスクリーニング及びその立体構造解析、更にはその立体構造に基づいた有機合成展開によるEPO活性を有する低分子物質(アゴニスト)の創製に成功している(Nicholas et al.: Science, 273, 458-463, 1996)。

【0028】

また本発明者らは、破骨細胞形成抑制因子OCIFを用い、その結合蛋白質が活性型ビタミンD<sub>3</sub>や副甲状腺ホルモン(parathyroid hormone, PTH)などの骨吸収因子の存在下で培養した骨芽細胞様ストローマ細胞株、ST2の細胞上に特異的に発現することをすでに見出した。さらに、該蛋白質は未熟な破骨細胞前駆細胞からの破骨細胞への分化、成熟に参与する、いわゆる破骨細胞分化、成熟を支持又は促進する因子としての生物活性を有していることを見出し、該蛋白質を精製することによりその物理化学的諸性質及びその生物活性を明らかにした。本発明者らは、本発明のDNAにより発現される遺伝子組み換え型蛋白質OBMと、すでに前記OCIFと特異的に結合する精製天然型蛋白質との異同を明らかにすべく、物理化学的性質及び生物活性を比較した。その結果、両蛋白質とも 1 膜結合蛋白質であり、特異的にOCIFと結合し、 2 SDS-PAGEでの分子量は約40,000、 3 モノマータイプのOCIFとクロスリンクさせた場合の見かけの分子量は約90,000-110,000であり、物理化学的諸性質がよく一致していること、又、生物活性においても、両蛋白質は破骨細胞の分化、成熟を支持又は促進する活性を有していることから、両蛋白質は同一である可能性が示唆された。さらに、本発明DNAを用いて遺伝子工学的に発現させ、精製した蛋白質(遺伝子組み換え型OBM)で作製したウサギ抗OBMポリクローナル抗体は、前記の方法で得られる精製天然型蛋白質に交差性を有し、OBMとOCIFとの特異的結合を阻害するのと同様に、前記の精製天然型蛋白質とOCIFとの結合を特異的に阻害した。これらの結果から、本発明のDNAにより発現される遺伝子組み換え型蛋白質OBMは、前記OCIFに特異的に結合する天然型蛋白質と同一であることが明らかである。

【0029】

さらに本発明者らは、OCIFに特異的に結合し、天然型あるいは遺伝子組み換え型マウスOBMと同様にマウス脾臓細胞からの破骨細胞の分化、成熟を支持、促進する活性を有するヒト由来OCIF結合蛋白分子(以下ヒトOBMと称する)をコードする遺伝子(cDNA)を単離するため、前述のとおりマウスOBM cDNAから作製したプライマーを用い、ヒトリンパ節由来cDNAを鋳型としてpolymerase chain reaction(PCR)を行い、得られたヒトOBMc DNA断片をプローブとして上記cDNAライブラリーをスクリーニングした。その結果、OCIFと特異的に結合するヒト由来蛋白質をコードするcDNAを分離することに成功し、このヒト由来OCIF結合蛋白分子、即ちヒトOBMをコードするcDNAの塩基配列を決定した。このcDNAにコードされるヒトOBMは、マウスOBMと同様に細胞膜上でOCIFと強く、しかも特異的に結合する特性を有し、またマウス脾臓細胞からの破骨細胞の分化、成熟を支持、促進する生物活性を有することを見出した。

【0030】

即ち、本発明は破骨細胞形成抑制因子OCIFに結合する新規なヒト由来蛋白質であるヒトOBMをコードするDNA、そのDNAによりコードされるアミノ酸配列を有する蛋白質、そのDNAを用いてOCIFに特異的に結合する性質を有し、マウス脾臓細胞からの破骨細胞の分化、成熟を支持、促進する活性を有する蛋白質を遺伝子工学的に製造する方法、及び該蛋白質を含有する骨代謝異常症治療剤の提供、更にヒトOBMの発現を調節する物質のスクリーニング方法、ヒトOBMと結合しその作用を阻害又は修飾する物質のスクリーニング方法、ヒトOBMと結合しその作用を伝達するレセプターのスクリーニング方法及びこれらのスクリーニングの結果得られた物質を含有する医薬組成物を提供することを課題とする。

【0031】

本発明は、OCIFに特異的に結合する特性を有し、また破骨細胞の分化、成熟を支持、促進する生物活性を有する新規なヒト蛋白質であるヒトOBMをコードするDNA、そのDNAによりコードされるアミノ酸配列を有する蛋白質、そのDNAを用いてOCIFに特異的に結合する特性を有し、また破骨細胞の分化、成熟を支持、促進する生物活性を有する蛋白質を遺伝子工学的に製造する方法、及び該蛋白質を含有する骨代謝異常症治療剤に関する。更に、本

10

20

30

40

50

発明はヒトOBMの発現を調節する物質のスクリーニング方法、ヒトOBMと結合しその作用を阻害又は修飾する物質のスクリーニング方法、ヒトOBMと結合しOBMの生物活性を伝達するレセプターのスクリーニング方法、及びこれらのスクリーニングの結果得られた物質を含有する医薬組成物、さらにヒト由来OCIF結合蛋白質に対する抗体及びその抗体を用いた骨代謝異常症の予防及び/又は治療薬に関する。

【0032】

本発明のDNAによりコードされる新規ヒト由来OCIF結合蛋白分子、即ちヒトOBMは、以下の物理化学的性質及び生物活性を示す。

即ち、

- a. 破骨細胞形成抑制因子(osteoclastogenesis inhibitory factor, OCIF)(W096/26217号) 10  
に特異的に結合する。
- b. 還元条件下でのSDS-PAGEによる分子量測定で、約40,000(±5,000)の分子量を示す。又、モノマータイプのOCIFとクロスリンクさせた場合の見かけ上の分子量は約90,000 110,000である。
- c. 破骨細胞の分化、成熟を支持、促進する生物活性を有する。  
ものである。

【0033】

本発明のヒトOBMをコードするcDNAを分離同定するための、プローブとして使用するマウス由来OCIF結合蛋白質であるマウスOBM cDNAは、前述の方法に従って、マウス骨芽細胞様ストローマ細胞株、ST2のcDNAライブラリーから単離することができる。又、ヒトOBMc DN 20  
Aを発現することにより得られる蛋白質の特性及びその生物活性を評価するために必要なヒト破骨細胞形成抑制因子OCIFは、W096/26217号記載の方法に従って、ヒト線維芽細胞株IMR-90の培養液から単離、あるいはそのDNAを用いて遺伝子工学的に製造することができる。ヒトOBMの特性や生物活性の評価には、遺伝子組み換えヒトOCIF、遺伝子組み換えマウスOCIF、遺伝子組み換えラットOCIF等を用いることもできる。これらの遺伝子組み換え型OCIFは、それぞれのcDNAを常法に従って発現ベクターに組み込み、CHO細胞、BHK細胞、Namalwa細胞等の動物細胞あるいは昆虫細胞などで発現させ、精製することによって得ることができる。

【0034】

目的の蛋白質をコードするヒト型のcDNAを単離する(cDNAクローニング)方法としては、 30  
1 その蛋白質を精製し、その部分アミノ酸配列を決定し、それに対応する塩基配列を有するDNAをプローブとして用い、ハイブリダイゼーション法により目的のcDNAを単離する方法、 2 目的の蛋白質のアミノ酸配列が不明であっても発現ベクター中にcDNAライブラリーを構築し、それらを細胞中に導入し、目的蛋白質の発現の有無をスクリーニングすることにより、目的のcDNAを単離する方法(発現クローニング法)、及び 3 ヒト由来の目的蛋白質と同じ特性及び生物活性を有するヒト以外の哺乳動物由来の蛋白質をコードする遺伝子、cDNAがクローニングしようとするヒト由来の目的蛋白質のcDNAと高いホモロジーを有すると想定し、前者のcDNAをプローブとし、ヒト細胞あるいは組織から構築したcDNAライブラリーからハイブリダイゼーション法やpolymerase chain reaction (PCR)法により目的のヒト蛋白質をコードするcDNAを単離する方法がある。 40

【0035】

ヒトOBM cDNAは、前記マウスOBM cDNAと高い相同性を有するとの想定のもと、ヒトOBM産生細胞あるいは組織は後者のcDNAをプローブとして、ノーザンハイブリダイゼーション法により調べることができる。ヒトOBM cDNAは、マウスOBM cDNAから作製したマウスOBMプライマーを用い、上記のようにして同定したヒトOBM産生組織、例えばヒトリンパ節等から構築したcDNAを鋳型として、PCRによりヒトOBM cDNA断片を得て、このヒトOBMc DNA断片をプローブとし、上記の様に同定したヒトOBM産生細胞あるいは組織のcDNAライブラリーをスクリーニングすることにより得ることができる。本発明は、このようにして得られたOCIFに特異的に結合する性質を有し、また破骨細胞の分化、成熟を支持、促進する生物活性を有するヒト由来蛋白質、即ちヒトOBMをコードするDNAに関する。本発明のDNAがコ 50

ードするヒトOBMは、膜貫通領域を有する膜結合型蛋白質をコードすることから、OCIFを標識し、本発明のcDNAを発現した動物細胞表面へのOCIF標識体の結合によって検出することができる。OCIFの標識法としては、前述と同様、放射性同位元素による標識や蛍光標識等、一般的な蛋白質の標識法を用いることができる。

本発明のヒトOBM cDNAにより発現される蛋白質の分子量は、ゲル濾過クロマトグラフィーやSDS-PAGE等を用いて測定される。より正確に分子量を測定するためには、SDS-PAGEを用いるのが好ましく、ヒトOBMは、還元条件下で約40,000(40,000±5,000)の分子量を有する蛋白質として特定される。

#### 【0036】

本発明という比較的温和な条件でのDNAハイブリダイゼーションとは、例えば常法に従い 10  
ナイロンメンブランにDNAをトランスファーし、固定化した後、ハイブリダイゼーション  
用バッファー中で放射線標識したプローブのDNAと40-70℃、2時間から一夜程度ハイブリ  
ダイゼーションさせ、0.5×SSC(0.075M塩化ナトリウム及び0.0075Mクエン酸ナトリウム)  
で45℃、10分間洗浄する条件を言う。より具体的には、常法に従い、ナイロンメンブラン  
にハイボンD(アマシャム社)を用い、DNAをトランスファーし、固定化した後、Rapid Hy  
bridization Buffer(アマシャム社)中で<sup>32</sup>P標識したプローブのDNAと65℃、2時間ハイブ  
リダイゼーションさせて、上記の0.5×SSCで45℃、10分間洗浄する条件を言う。

#### 【0037】

破骨細胞形成の代表的なインビトロ培養系として、活性型ビタミンD<sub>3</sub>あるいはPTHの存在  
下でのマウス由来骨芽細胞様ストローマ細胞株、ST2とマウス脾臓細胞との共培養系がよく 20  
知られている。このインビトロ培養系での破骨細胞形成には、骨芽細胞様ストローマ細胞  
と脾臓細胞間の接着による相互作用及び活性型ビタミンD<sub>3</sub>やPTH等の骨吸収促進因子の  
存在が不可欠である。このインビトロ培養系において、骨吸収促進因子非存在下で、しか  
も破骨細胞形成支持能のないサル腎臓細胞株であるCOS細胞に本発明のcDNAを発現させた  
遺伝子組み換えCOS細胞株は、骨芽細胞様ストローマ細胞株、ST2と同様に脾臓細胞からの  
破骨細胞形成支持能を獲得した。また本発明のcDNAは膜結合型蛋白質をコードすることか  
ら、この膜結合部位をコードする部分を除去することにより分泌型、可溶型として発現さ  
せることもできる。骨吸収促進因子非存在下の上記インビトロ培養系に、この分泌型ヒト  
OBMを添加するだけで破骨細胞の形成が起こることも確認された。

これらの結果から、本発明のcDNAによりコードされるヒトOBMは破骨細胞の分化、成熟に 30  
関与する因子として特定される。

#### 【0038】

本発明のcDNAを発現ベクターに挿入してヒトOBM発現プラスミドを作製し、これを各種の  
細胞または菌株に導入して発現させることにより、組み換え型ヒトOBMを製造することが  
できる。発現させる際の哺乳動物細胞の宿主としてCOS-7、CHO、Namalwa細胞などを、ま  
た細菌の宿主として大腸菌等を用いることができる。その際、cDNAの全長を用いて膜結合  
型蛋白質として発現させることができるし、また膜結合部位をコードする部分を除去す  
ることにより分泌型、可溶化型としても発現させることができる。このようにして製造され  
た組み換え型ヒトOBMは、通常用いられる蛋白精製法、例えばOCIF固定化カラムを用いた  
アフィニティークロマトグラフィー、イオン交換クロマトグラフィーやゲル濾過クロマトグ  
ラフィー等を組み合わせることにより効率良く精製できる。このようにして得られた本発  
明ヒトOBMは、その活性より骨代謝異常症、例えば大理石病などの治療剤としての医薬、  
あるいは研究・診断用試薬として有用である。

#### 【0039】

本発明のcDNAにコードされる蛋白質、ヒトOBMを利用することにより、  
1 ヒトOBMの発現を調節する物質のスクリーニング、  
2 ヒトOBMに特異的に結合し、その生物活性を  
阻害あるいは修飾する物質のスクリーニング、及び  
3 ヒト破骨細胞前駆細胞に存在し、  
ヒトOBMの生物活性を伝達するヒト蛋白質(ヒトOBMレセプター)のスクリーニング、さら  
にはこのヒトOBMレセプターを利用したアンタゴニストやアゴニストの開発が可能である  
。上述のヒトOBMあるいはヒトOBMレセプターを用いたコンビナトリアルケミストリーにお 50

いて、アンタゴニストあるいはアゴニストの探索に必要なペプチドライブラリーはマウスOBMを用いたスクリーニングの方法と同様の方法で作製することができ、マウスOBMの代わりにヒトOBMを用いて、ペプチドライブラリーを同様にスクリーニングすることにより、特異的かつ極めて高親和性のペプチドを得ることができる。

【0040】

さらにまた、前述のようにOBMは有用性の高い蛋白質であるが、この蛋白質の測定を行うにはOBMを特異的に認識する抗体とその抗体を用いた酵素免疫測定法の構築が必須である。しかしながら、これまでにOBMの測定に有用な抗体は得られていない。さらに、OBMあるいはsOBMの生物活性を中和する抗OBM/sOBM抗体は、OBMあるいはsOBMの作用、即ち破骨細胞形成の促進作用を抑制することが想定され、骨代謝異常症の治療薬としての開発が期待されるが、このような抗体も未だ得られていない。

10

【0041】

上述の状況に鑑み本発明者らは鋭意研究の結果、破骨細胞形成抑制因子(OCIF)に特異的に結合する膜結合蛋白質(OCIF結合分子;OBM)及び膜結合部位を欠損した可溶性OBM(sOBM)の両抗原を認識する抗体(抗OBM/sOBM抗体)を見出すに至った。従って本発明は、破骨細胞形成抑制因子OCIFに特異的に結合する膜結合蛋白質OBM及び膜結合部位を欠損した可溶性OBM(sOBM)の両抗原を認識する抗体(抗OBM/sOBM抗体)、その製造方法、この抗体を用いたOBM及びsOBMの測定方法、さらにこの抗体を有効成分とする骨代謝異常症予防及び/又は治療剤を提供することを課題とする。

【0042】

本発明は、破骨細胞形成抑制因子(Osteoclastogenesis inhibitory factor; OCIF)に特異的に結合する膜結合蛋白質(OCIF binding molecule; OBM)及び膜結合部位を欠損した可溶性OBM(sOBM)の両抗原を認識する抗体(抗OBM/sOBM抗体)、その製造方法、この抗体を用いたOBM及びsOBMの測定方法、さらにこの抗体を有効成分とする医薬、特に骨代謝異常症予防及び/又は治療剤に関する。

20

本発明の抗体は、OBM及びsOBMの生物活性である破骨細胞形成促進活性を中和する活性を有し、以下の性質を持つ抗体から構成される。

即ち、

- a) マウスOBM及びマウスsOBMの両抗原を認識するポリクローナル抗体(抗マウスOBM/sOBMポリクローナル抗体)
- b) ヒトOBM及びヒトsOBMの両抗原を認識するポリクローナル抗体(抗ヒトOBM/sOBMポリクローナル抗体)
- c) マウスOBM及びマウスsOBMの両抗原を認識するモノクローナル抗体(抗マウスOBM/sOBMモノクローナル抗体)
- d) ヒトOBM及びヒトsOBMの両抗原を認識するモノクローナル抗体(抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体)
- e) マウスOBM及びマウスsOBMの両抗原に交差性を有する抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体、から構成される。

30

【0043】

マウスOBM及びマウスsOBMの両抗原を認識するポリクローナル抗体(以下抗マウスOBM/sOBMポリクローナル抗体と称する)及びヒトOBM及びヒトsOBMの両抗原を認識するポリクローナル抗体(以下抗ヒトOBM/sOBMポリクローナル抗体と称する)は、以下の手段によって得ることができる。免疫用抗原としての精製マウスOBMは、前述の方法に従って得ることができる。即ち、マウス骨芽細胞様ストローマ細胞株ST-2を活性ビタミンD<sub>3</sub>処理し、その細胞膜上のOBMをOCIF固定化カラム及びゲル濾過クロマトグラフィーにより精製することにより、天然型マウスOBM(native OBM)を得ることができる。又、前述のマウスOBM cDNA(配列表配列番号15)又はヒトOBM cDNA(配列表配列番号12)を常法により発現ベクターに組み込み、CHO細胞、BHK細胞、Namalwa、COS-7細胞等の動物細胞、昆虫細胞、あるいは大腸菌などで発現させて、上記と同様の方法で精製することにより、遺伝子組み換えマウスOBM(配列表配列番号1)又はヒトOBM(配列表配列番号11)を得ることができ、これを免疫用抗原とし

40

50

て用いても良い。この時、膜結合蛋白質であるマウスOBMあるいはヒトOBMを大量かつ高度に精製するには、多大の労力を要する。一方、膜結合型蛋白質であるOBMとその膜結合部位を欠損させて得られる可溶性蛋白質である可溶性OBM(sOBM)とは、前述のように破骨細胞の分化、成熟促進活性において差異がないことが認められている。従って、マウスsOBM及びヒトsOBMは発現及びその高度精製が比較的容易であることから、これら可溶性蛋白質であるsOBMを免疫用抗原として用いても良い。

#### 【0044】

マウスsOBM(配列表配列番号16)及びヒトsOBM(配列表配列番号17)は、マウスsOBM cDNA(配列表配列番号18)又はヒトsOBM cDNA(配列表配列番号19)の5'上流側に他の分泌蛋白質由来の既知シグナル配列をコードする塩基配列を付加し、上記と同様に遺伝子工学的手法により発現ベクターに組み込み、各種動物細胞、昆虫細胞、あるいは大腸菌などを宿主として発現し、精製することにより、それぞれ得ることができる。このようにして得られた免疫用抗原を、リン酸塩緩衝生理食塩水(PBS)に溶解し、必要に応じ同容量のフロイント完全アジュバントと混合し乳化後、動物に約1週間間隔で皮下投与し、数回免疫する。抗体価を測定し、最高の抗体価に達した時点でブースター投与し、投与10日後に全採血を行う。得られた抗血清を硫酸アンモニウム分画沈澱し、グロブリン分画を陰イオン交換クロマトグラフィーにより精製するか、あるいは抗血清をバインディングバッファー(Biorad社)で2倍希釈し、その希釈抗血清をプロテインA又はプロテインGセファロースカラムクロマトグラフィーにより精製することにより、目的とする抗マウス又は抗ヒトOBM/sOBMポリクローナル型抗体を得ることができる。

#### 【0045】

本発明のモノクローナル抗体は、以下の方法により得ることができる。即ち、モノクローナル抗体の作製に必要な免疫用抗原としては、ポリクローナル抗体の時と同様に天然型マウスOBM(native OBM)、遺伝子組み換えマウス型又はヒトOBM、遺伝子組み換えマウス型又はヒト型sOBMを用いることができる。それぞれの抗原により哺乳動物を免疫するか、あるいはインビトロ法により免疫したリンパ球細胞を骨髄腫細胞株(ミエローマ)などと融合させ、常法によりハイブリドーマを作製する。このハイブリドーマ培養液について、高度に精製されたそれぞれの抗原を用いて、ソリッドフェーズELISAによりそれぞれの抗原を認識する抗体生産ハイブリドーマを選択する。得られたハイブリドーマをクローニングし、樹立した安定な抗体産生ハイブリドーマをそれぞれ培養することにより、目的とする抗体が得られる。ハイブリドーマの作製に当たっては、哺乳動物を使用する場合、マウスやラットなどの小動物を使用するのが一般的である。免疫は、抗原を適当な溶媒、例えば生理食塩水などで適当な濃度に希釈し、この溶液を静脈内や腹腔内に投与し、これに必要に応じてフロイント完全アジュバントを併用投与し、動物に1~2週間間隔で3~4回程度投与する方法が一般的である。このようにして免疫された動物を最終免疫後3日目に解剖し、摘出した脾臓から得られた脾臓細胞を免疫細胞として使用する。免疫細胞と細胞融合するマウス由来のミエローマとしては、例えばp3/x63-Ag8、p3-U1、NS-1、MPC-11、SP-2/0、F0、P3x63 Ag8、653及びS194などが挙げられる。又、ラット由来の細胞としては、R-210などの細胞株が挙げられる。ヒト型の抗体を生産する場合には、ヒトBリンパ球をインビトロで免疫し、ヒトミエローマ細胞やEBウイルスにより形質転換した細胞株と細胞融合させることにより、ヒト型の抗体を生産することができる。免疫された細胞とミエローマ細胞株との融合は公知の方法、例えばKoehlerとMilsteinらの方法(Koehler et al.: Nature 256, 495-497, 1975)が一般的に使用されるが、電気パルスを利用した電気パルス法などでも良い。免疫リンパ球とミエローマ細胞株は、通常行われている細胞数の比率に混合し、一般に使用される牛胎児血清(FCS)不含細胞培養用培地にポリエチレングリコールを添加して融合処理を行い、FCS添加HAT選択培地で培養を行い融合細胞(ハイブリドーマ)を選別する。

#### 【0046】

次に、抗体を生産するハイブリドーマをELISA、ブランク法、オクタロニー法、凝集法など通常用いられる抗体の検出方法により選択し、安定なハイブリドーマを樹立する。この

10

20

30

40

50

ようにして樹立されたハイブリドーマは、通常の培養方法により継代培養可能であり、必要に応じて凍結保存できる。ハイブリドーマは常法により培養して、その培養液、または哺乳動物の腹腔内に移植することにより、腹水から抗体を回収することができる。培養液あるいは腹水中の抗体は、塩析法、イオン交換及びゲル濾過クロマトグラフィー、プロテインAまたはプロテインGアフィニティークロマトグラフィーなど通常用いられる方法により精製することができる。このような方法により、抗原としてsOBMを用いて得られたモノクローナル抗体のほとんど全ては、sOBMだけでなくOBMをも特異的に認識できる抗体(抗OBM/sOBMモノクローナル抗体と称する)である。これらの抗体は、OBM及びsOBMのそれぞれの測定に利用することができる。これらの抗体は放射性アイソトープや酵素ラベルすることにより、ラジオイムノアッセイ(RIA)やエンザイムイムノアッセイ(EIA)として知られている測定系に用いることにより、OBM量及びsOBM量を測定することができる。これらの測定系を用いることにより、血液、尿などの生体試料中のsOBM量を容易にかつ高感度で測定することができる。また、これらの抗体を用いることにより、組織や細胞表面に結合したOBM量をバインディングアッセイ等により容易にかつ高感度で測定することができる。

10

#### 【0047】

得られた抗体をヒトに対する医薬として用いる場合、抗原性の問題からヒト型抗ヒトOBM/sOBM抗体を作製することが望ましい。ヒト型抗ヒトOBM/sOBM抗体の作製は、次に述べるような手法により得ることができる。即ち、1 ヒト末梢血あるいは脾臓から採取したヒトリンパ球をin vitroでIL-4存在下、抗原であるヒトOBMあるいはヒトsOBMで感作し、感作したヒトリンパ球をマウスとヒトとのヘテロハイブリドーマである $K_6H_6/B_5$ (ATCC CRL1823)と細胞融合させることにより、目的の抗体産生ハイブリドーマをスクリーニングする。得られた抗体産生ハイブリドーマが生産する抗体は、ヒト型抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体である。これらの抗体の中からヒトOBM/sOBMの活性を中和する抗体を選別する。しかしながら、このようにヒトリンパ球をin vitroで感作する方法では、一般的に抗原に対して高親和性の抗体を得るのは困難である。

20

#### 【0048】

従って、ヒトOBMおよびsOBMに高親和性のモノクローナル抗体を得るには、上記のようにして得られた低親和性ヒト型抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体を高親和化する必要がある。それには、上記のようにして得られ、中和抗体であるものの低親和性であるヒト型抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体のCDR領域(特にCDR-3)にランダム変異を導入し、これをファージで発現させてヒトOBM/sOBMを固相化したプレートを用いてファージディスプレイ法により、抗原であるヒトOBM/sOBMに強力に結合するファージを選択し、そのファージを大腸菌で増やし、その塩基配列から高親和性を有するCDRのアミノ酸配列を決定すればよい。このようにして得られたヒト型抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体をコードする遺伝子を一般的に使用されている哺乳動物細胞用発現ベクターに組み込んで、発現させることによりヒト型抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体が得られる。これらの中から、ヒトOBM/sOBMの生物活性を中和し、かつ高親和性である目的のヒト型抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体を選別することができる。また、2 Balb/cマウスを用いて、本発明と同じように常法(Koehler et al.: Nature 256, 495497, 1975)によりマウス型抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体を作製し、ヒトOBM/sOBMの生物活性を中和し、かつ高親和性を有するモノクローナル抗体を選択する。この高親和性マウス型抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体のCDR領域(CDR-1,2および3)をヒトIgGのCDR領域に移植するCDR-grafting(Winter and Milstein: Nature 349, 293-299, 1991)の手法を駆使することによりヒト型化が可能である。上記に加え、さらに3 ヒト末梢血リンパ球をSevere combined immune deficiency(SCID)マウスに移植し、この移植されたSCIDマウスはヒト型抗体を生産する(Mosier D.E. et al.: Nature 335, 256-259, 1988; Duchosal M.A. et al.: Nature 355, 258-262, 1992)ので、抗原としてヒトOBMあるいはsOBMを抗原として感作し、スクリーニングすることにより、ヒトOBM/sOBMに特異的なヒト型モノクローナル抗体を生産するリンパ球をそのマウスから採取することができる。得られたリンパ球を前述のヒト型抗体の作製法1と同様に、マウスとヒトとのヘテロハイブリドーマである $K_6H_6/B_5$ (ATCC CRL1823)と細胞融

30

40

50

合させ、得られたハイブリドーマをスクリーニングすることにより、目的のヒト型モノクローナル抗体を産生するハイブリドーマを得ることができる。このようにして得られたハイブリドーマを培養することにより、目的のヒト型モノクローナル抗体を大量に製造でき、上述の方法と同様に精製することにより精製品を得ることができる。又、目的のヒト型モノクローナル抗体を産生するハイブリドーマからcDNAライブラリーを構築し、目的のヒト型モノクローナル抗体をコードする遺伝子(cDNA)をクローニングし、この遺伝子を遺伝子工学的手法により適当な発現ベクターに組み込み、各種動物細胞、昆虫細胞、あるいは大腸菌などを宿主として発現させることにより、遺伝子組み換えヒト型モノクローナル抗体を大量に製造することができる。

#### 【0049】

得られた培養液から上述と同様の方法により精製することにより、精製されたヒト型モノクローナル抗体を大量に得ることができる。

さらに、上述の方法で得られた抗OBM/sOBMモノクローナル抗体の中から、OBM/sOBMの生物活性を中和する抗体を得ることができる。これらOBM/sOBMの生物活性を中和する抗体は、生体内でのOBM/sOBMの生物作用、即ち破骨細胞形成促進作用をブロックすることから、医薬として、特に骨代謝異常症の予防及び/又は治療剤として期待される。抗OBM/sOBM抗体によるOBMあるいはsOBMの生物活性の中和活性は、in vitroでの破骨細胞形成系における破骨細胞形成の抑制活性で測定することができる。in vitroアッセイ系として、以下の3つの方法がある。即ち、破骨細胞形成(osteoclastogenesis)のin vitro培養系として、

1 活性型ビタミンD<sub>3</sub>とデキサメサゾンの存在下、マウス骨芽細胞様ストローマ細胞株、ST2細胞とマウス脾臓細胞との共培養系、 2 サル腎臓細胞株、COS-7細胞上にOBMを発現させ、ホルムアルデヒドにより固定化し、M-CSF存在下、その細胞上でマウス脾臓細胞を培養する共培養系、 3 遺伝子組み換えsOBM及びM-CSF存在下でマウス脾臓細胞を培養する系などが挙げられる。これら培養系に種々の濃度で抗OBM/sOBM抗体を添加し、破骨細胞形成に及ぼす影響を調べることにより、抗OBM/sOBM抗体による破骨細胞形成抑制活性を測定することができる。又、in vivoでの実験動物を利用した骨吸収抑制活性により抗OBM/sOBM抗体の破骨細胞形成抑制活性を評価することができる。即ち、破骨細胞形成が亢進している動物モデルとして、卵巣摘出モデルがある。この種の実験動物に抗OBM/sOBM抗体を投与し、骨吸収抑制活性(骨密度の増強活性)を測定することにより、抗OBM/sOBM抗体による破骨細胞形成抑制活性を測定することができる。

#### 【0050】

このようにして得られたOBM/sOBMの生物活性を中和する抗体は、医薬として、特に骨代謝異常症の予防及び/又は治療を目的とした医薬組成物として、あるいはこのような疾患の免疫学的診断のための抗体として有用である。本発明抗体は、製剤化して経口的あるいは非経口的に投与することができる。本発明抗体を含む製剤は、OBM及び/又はsOBMを認識する抗体を有効成分として含有する医薬組成物として、ヒトあるいは動物に対し安全に投与されるものである。医薬組成物の形態としては、点滴を含む注射剤、坐剤、経鼻剤、舌下剤、経皮吸収剤などが挙げられる。モノクローナル抗体は高分子蛋白質であることから、バイアル瓶などのガラス容器や注射筒などへの吸着が著しい上に不安定であり、種々の物理化学的因子、例えば熱、pHおよび湿度等により容易に失活する。従って、安定な形で製剤化するために、安定化剤、pH調整剤、緩衝剤、可溶化剤、界面活性剤などを添加する。

#### 【0051】

安定化剤としては、グリシン、アラニン等のアミノ酸類、デキストラン40およびマンノース等の糖類、ソルビトール、マンニトール、キシリトール等の糖アルコール等が挙げられ、またこれらの二種以上を併用してもよい。これらの安定化剤の添加量は、抗体の重量に対して0.01~100倍、特に0.1~10倍添加するのが好ましい。これら安定化剤を加えることにより、液状製剤あるいは凍結乾燥製剤の保存安定性を向上することができる。緩衝剤としては、例えばリン酸バッファー、クエン酸バッファー等が挙げられる。緩衝剤は、液状製剤あるいは凍結乾燥製剤の再溶解後の水溶液のpHを調整し、抗体の安定性、溶解性に寄与する。緩衝剤の添加量としては、例えば液状製剤あるいは凍結乾燥製剤を再溶解した後

10

20

30

40

50

の水量に対し、1~10mMとするのが好ましい。界面活性剤としては、好ましくはポリソルベート20、ブルロニックF-68、ポリエチレングリコール等、特に好ましくはポリソルベート80が挙げられ、またこれらの2種以上を併用してもよい。抗体のような高分子蛋白質は容器の材質であるガラスや樹脂などに吸着しやすい。従って、界面活性剤を添加することによって、液状製剤あるいは凍結乾燥製剤の再溶解後の抗体の、容器への吸着を防止することができる。界面活性剤の添加量としては、液状製剤あるいは凍結乾燥製剤の再溶解後の水重量に対し0.001~1.0%添加することが好ましい。以上のような安定化剤、緩衝剤、あるいは吸着防止剤を加えて本発明抗体の製剤を調製することができるが、特に医療用又は動物薬用注射剤として用いる場合は、浸透圧比として許容される浸透圧比は1~2が好ましい。浸透圧比は、製剤化に際して塩化ナトリウムの増減により調製することができる。製剤中の抗体含量は、適用疾患、適用投与経路などに応じて適宜調整することができ、ヒトに対するヒト型化抗体の投与量は、抗体のヒトOBM/sOBMに対する親和性、即ちヒトOBM/sOBMに対する解離定数(Kd値)に依存し、親和性が高い(Kd値が低い)ほど、ヒトへの投与量を少なく薬効を発現することができる。又、ヒト型抗体はヒト血中での半減期が約20日間と長いことから、例えばヒトに対して投与する際には、約0.1~100mg/kgを1~30日間に1回以上投与すれば良い。

10

【0052】

【実施例】

以下の実施例により本発明をより詳細に説明するが、これらは単に例示するのみであり、本発明はこれらによって何ら限定されるものではない。

20

【実施例1】

本発明蛋白質の製造(1)ST2細胞の大量培養

マウス骨芽細胞様ストローマ細胞株ST2(RIKEN CELL BANK, RCB0224)は、10%牛胎児血清を含む MEM培地を用いて培養した。付着細胞用225cm<sup>2</sup>Tフラスコでコンフルエントになるまで培養したST2細胞を、トリプシン処理してTフラスコから剥がし洗浄した後、5枚の225cm<sup>2</sup>Tフラスコに移し、10<sup>-8</sup>M活性型ビタミンD<sub>3</sub>(Calcitriol)、10<sup>-7</sup>Mデキサメサゾン、及び10%牛胎児血清を添加した MEM培地各々60mlを加えてCO<sub>2</sub>インキュベーター中で7-10日間培養した。培養したST2細胞はセルスクレイパーを用いて回収し、使用するまで 80

30

【0053】

(2)膜画分の調製と膜結合蛋白質の可溶化

225cm<sup>2</sup>のTフラスコ80枚を用いて培養した実施例1 (1)記載のST2細胞(容量約12ml)に、プロテアーゼ阻害剤(2mM APMSFP, 2mM EDTA, 2mM o-phenanthroline, 1mM leupeptin, 1μg/ml pepstatin A及び100 units/ml aprotinin)を含む10mMトリス-塩酸緩衝液(pH7.2)を3倍容量(36ml)加えた。ボルテックスミキサーを用いて30秒間この細胞を激しく攪拌した後、氷中で10分間放置した。

ホモジナイザー(DOUNCE TISSUE GRINDER, A syringde, WHEATON SCIENTIFIC社)を用い、細胞を破碎した。この細胞破碎液に、上記のプロテアーゼ阻害剤、0.5Mシュクロース、0.1M塩化カリウム、10mM塩化マグネシウム、及び2mM塩化カルシウムを加えた10mMトリス-塩酸緩衝液(pH7.2)の等量(48ml)を加え、攪拌した後、4℃、600×gで10分間遠心した。この遠心分離により、細胞核と未破碎の細胞を沈殿画分として分離した。遠心分離で得た上清を4℃、150,000×gで90分間遠心し、沈殿画分としてST2細胞の膜画分を得た。この膜画分に、上記のプロテアーゼ阻害剤、15mM塩化ナトリウム、及び0.1Mシュクロースを含む10mMトリス-塩酸緩衝液(pH7.2)8mlを加えた後、20% CHAPS (3 [(3-cholamidopropyl) dimethylammonio] 1-propanesulfonate, Sigma社)200μlを加え、4℃で2時間攪拌した。この液を4℃、150,000×gで60分間遠心し、その上清を可溶化膜画分として得た。

40

【0054】

【実施例2】

本発明蛋白質の精製

50

(1)OCIF固定化アフィニティーカラムの調製

HiTrap NHS-activatedカラム(1ml,ファルマシア社)内のイソプロパノールを1mM塩酸で置換した後、W096/26217号公報記載の方法で調製した遺伝子組み換え型OCIF 13.0mgを含む0.2M NaHCO<sub>3</sub>/0.5MNaCl(pH 8.3)溶液1mlをシリンジ(5ml,テルモ社)を用いカラムに添加した。室温で30分間カップリング反応させた後、過剰な活性基を不活性化する為、0.5Mエタノールアミン/0.5M NaCl(pH 8.3)と0.1M酢酸/0.5M NaCl(pH 4.0)を3mlずつ交互に3回流し、再度0.5Mエタノールアミン/0.5M NaCl(pH 8.3)に置き換え室温で1時間放置した。その後、0.5Mエタノールアミン/0.5M NaCl(pH 8.3)と0.1M 酢酸/0.5M NaCl(pH 4.0)で2度洗浄し、50mM Tris/1M NaCl/0.1%CHAPS緩衝液(pH 7.5)に置換した。

【 0 0 5 5 】

10

(2)OCIF固定化アフィニティーカラムによる本発明蛋白質の精製

OCIF結合蛋白質の精製は、特に断らない限り4で行った。前述のOCIF固定化アフィニティーカラムを、実施例1(2)記載のプロテアーゼ阻害剤、0.15M塩化ナトリウム、及び0.5% CHAPSを加えた10mMトリス-塩酸緩衝液(pH 7.2)で平衡化した。このカラムに、実施例1(2)項記載の可溶化膜画分約8mlを流速0.01ml/分で負荷した。このカラムに、上記のプロテアーゼ阻害剤、0.15M塩化ナトリウム、及び0.5%CHAPSを加えた10mMトリス-塩酸緩衝液(pH 7.2)を流速0.5ml/分で100分間流してカラムを洗浄した。次に、プロテアーゼ阻害剤、0.2M塩化ナトリウム、及び0.5%CHAPSを加えた0.1Mグリシン-塩酸緩衝液(pH 3.3)を流速0.1ml/分で50分間流し、カラムに吸着した蛋白質を溶出した。同様に、プロテアーゼ阻害剤、0.2M塩化ナトリウム、及び0.5%CHAPSを加えた0.1Mクエン酸ナトリウム緩衝液(pH 2.0)を流速0.1ml/分で50分間流し、カラムに吸着した蛋白質を溶出した。溶出液は0.5ml/フラクションにて分取した。分取した画分には、2Mトリス溶液を加え、直ちに中和した。各緩衝液で溶出したフラクション(溶出液量1.0-5.0ml)の各々をセントリコン-10(Centricon 10, Amicon, USA)を用いて50から100µlに濃縮した。濃縮した各フラクションの一部を分取し、それぞれにOCIFを添加後、OCIFポリクローナル抗体で免疫沈殿させた。その沈殿画分をSDS化して後、SDS-PAGEにかけてOCIFに特異的な結合能を有する蛋白質のバンドが出現するフラクション(Fr. No.3-10)を本発明蛋白質画分とした。

【 0 0 5 6 】

20

(3)ゲル濾過による本発明蛋白質の精製

実施例2(2)記載の方法で精製し、濃縮したOCIF結合蛋白質(0.1Mグリシン-塩酸緩衝液、pH 3.3及び0.1Mクエン酸ナトリウム緩衝液、pH 2.0溶出画分)を10mMTris-HCl, 0.5M NaCl, 0.5% CHAPS(pH 7.0)で平衡化したSuperose 12HR10/30カラム(ファルマシア社、1.0x30cm)にかけ、平衡化緩衝液を移動相として用い流速0.5 ml/minで展開させ、0.5 mlずつの画分を集めた。上記と同様にして本発明蛋白質画分(Fr. No. 27-32)を同定し、各々のフラクションをCentricon-10 (Amicon)で濃縮した。

【 0 0 5 7 】

30

(4)逆相高速液体クロマトグラフィーによる精製

前述のゲル濾過で精製したOCIF結合蛋白質を0.1% トリフルオロ酢酸(TFA), 30%アセトニトリルで平衡化したC<sub>4</sub>カラム(2.1x250mm, Vydac, USA)に負荷した。最初の50分間でアセトニトリル濃度を30%から55%に、次の10分間でアセトニトリル濃度を80%にする勾配、流速0.2ml/minで溶出を行い、溶出された蛋白質のピークを215nmで検出した。溶出された各ピークの蛋白質を分取し本発明蛋白質のピークを同定することにより、高度に精製された本発明蛋白質を得た。

【 0 0 5 8 】

40

【実施例3】

精製された本発明蛋白質のSDS-PAGE

まず、活性型ビタミンD<sub>3</sub>存在下あるいは非存在下で培養したST2細胞から調製した膜可溶化画分を上記のようにOCIF固定化アフィニティーカラムで精製し、その精製標品をSDS-PAGEにかけた。図1(A)に示したように、活性型ビタミンD<sub>3</sub>存在下で培養したST2細胞からの精製標品のみ、約30,000-40,000のメジャーな蛋白質バンドが検出され、OCIF固定化ア

50

フィニティーカラムにより、OCIFに特異的に結合する蛋白質、即ち本発明蛋白質が選択的に濃縮、精製されることが明らかになった。しかしながら、本発明蛋白質以外にOCIF固定化カラムの担体やスペーサーなどに非特異的に結合した数種の蛋白質バンドが両精製サンプル中に共通して検出された。これらの本発明蛋白質以外の蛋白質を上記のようにゲル濾過及びC4逆相クロマトグラフィーで除去し、得られた高度精製本発明蛋白質のSDS-PAGEを図1(B)に示した。高度精製本発明蛋白質は電気泳動的に均一であり、その分子量は約30,000-40,000であった。

【0059】

【実施例4】

#### OCIFの骨芽細胞への結合試験

##### (1) $^{125}\text{I}$ 標識OCIFの調製

OCIFはヨードジェン(Iodogen)法により $^{125}\text{I}$  標識した。即ち、2.5mg/ml Iodogen クロロホルム溶液20 $\mu\text{l}$ を1.5mlエッペンドルフチューブに移し、40 $^\circ\text{C}$ でクロロホルムを蒸発させて、ヨードジェンコートしたチューブを調製した。このチューブを0.5Mリン酸ナトリウム緩衝液(Na-Pi, pH 7.0)400 $\mu\text{l}$ で3回洗浄した後、0.5M Na-Pi, pH 7.0, 5 $\mu\text{l}$ を加えた。このチューブにNa- $^{125}\text{I}$ 溶液(Amersham社、NEZ-033H20)1.3 $\mu\text{l}$ (18.5 MBq)を加えた後、直ちに1mg/ml rOCIF溶液(モノマー型あるいはダイマー型)10 $\mu\text{l}$ を加え、ポルテックスミキサーで攪拌した後、室温で30秒間放置した。この溶液を、予め10mg/mlヨウ化カリウム、0.5M Na-Pi, pH 7.0溶液80 $\mu\text{l}$ と5%牛血清アルブミンのリン酸塩緩衝生理食塩水5 $\mu\text{l}$ を添加しておいたチューブに移し攪拌した。この溶液を0.25%牛血清アルブミンのリン酸塩緩衝生理食塩水溶液で平衡化しておいたスピカラム(1ml, G-25 fine, ファルマシア社)に負荷し、2,000rpmで5分間遠心した。カラムから溶出された画分に0.25%牛血清アルブミンのリン酸塩緩衝生理食塩水溶液400 $\mu\text{l}$ を加え攪拌した後、2 $\mu\text{l}$ を取り、その放射能をガンマカウンターで測定した。このようにして調製した $^{125}\text{I}$ 標識OCIF溶液の放射化学純度は10%TCAにより沈殿する画分の放射能を測定することにより求めた。又、 $^{125}\text{I}$ 標識OCIF溶液のOCIF生物活性は、W096/26217号公報記載の方法に従い測定した。又、 $^{125}\text{I}$ 標識OCIF濃度は以下のようにELISAにより測定した。

【0060】

##### (2) $^{125}\text{I}$ 標識OCIF濃度のELISAによる測定

W096/26217号公報記載の抗OCIFウサギポリクローナル抗体を2 $\mu\text{g/ml}$ になるように溶解させた50mM  $\text{NaHCO}_3$  (pH 9.6)100 $\mu\text{l}$ ずつを96ウェルイムノプレート(MaxiSorp<sup>TM</sup>, Nunc社)の各ウェルに加えて4 $^\circ\text{C}$ で一夜放置した。この液を吸い取った後、ブロックエース(雪印乳業)/リン酸塩緩衝生理食塩水溶液(25/75)300 $\mu\text{l}$ ずつを各ウェルに加え、室温で2時間放置した。この液を吸い取った後、各ウェルを0.01%ポリソルベート80を含むリン酸塩緩衝生理食塩水(P-PBS)で3回洗浄し、次いで $^{125}\text{I}$ 標識OCIFサンプルあるいはOCIF標準品を添加したブロックエース/リン酸塩緩衝生理食塩水溶液(25/75)300 $\mu\text{l}$ ずつを各ウェルに加え、室温で2時間放置した。この液を吸い取った後、P-PBS 200 $\mu\text{l}$ で各ウェルを6回洗浄した。パーオキシダーゼ標識したウサギ抗OCIFポリクローナル抗体を含むブロックエース(雪印乳業)/リン酸塩緩衝生理食塩水溶液(25/75)100 $\mu\text{l}$ ずつを各ウェルに加え、室温で2時間放置した。この液を吸い取った後、P-PBS 200 $\mu\text{l}$ で各ウェルを6回洗浄した。TMB溶液(TMB Soluble Reagent, High Sensitivity, Scytek社)100 $\mu\text{l}$ ずつを各ウェルに加え、室温で2-3分放置した後、停止液(Stopping Reagent, Scytek社)100 $\mu\text{l}$ ずつを各ウェルに加えた。各ウェルの490nmにおける吸光度をマイクロプレートリーダーで測定した。OCIF標準品を用いて作製した検量線より、 $^{125}\text{I}$ 標識OCIFの濃度を求めた。

【0061】

##### (3)OCIFの骨芽細胞あるいは脾臓細胞への結合試験

マウス骨芽細胞様ストローマ細胞株ST2あるいは脾臓細胞をそれぞれ $4 \times 10^4$  cell/ml及び $2 \times 10^6$  cell/mlの濃度になるように、 $10^{-8}$  M活性型ビタミンD<sub>3</sub>(Calcitriol)及び $10^{-7}$  Mデキサメサゾン添加あるいは無添加の10%牛胎児血清(FBS)を含むMEM培地に懸濁させ、この培地1mlずつを24ウェルマイクロプレートに播種した。細胞をCO<sub>2</sub>インキュベーター中で4

10

20

30

40

50

日間培養し MEM培地で洗浄した後、上記の<sup>125</sup>I標識OCIF(モノマー型又はダイマー型)20ng/mlを加えた結合試験用培地(0.2%牛血清アルブミン、20mM HEPES緩衝液、0.2% NaN<sub>3</sub>を加えた MEM培地)200μlを各ウェルに加えた。又、別のウェルには、8μg/ml rOCIF(40倍濃度)を更に添加した結合試験用培地を200μg/ml加え、非特異的吸着量測定に供した。CO<sub>2</sub>インキュベーター中で1時間培養した後、1mlのリン酸塩緩衝生理食塩水1mlで3回洗浄した。この際、脾臓細胞は浮遊細胞であるため、24ウェルプレートを遠心分離しながら、各ウェルの細胞を洗浄した。洗浄後、0.1N NaOH溶液500μlを各ウェルに加え、室温に10分間放置することにより細胞を溶解させ、細胞に結合したRI量をガンマーカウンターで測定した。

<sup>125</sup>I標識OCIFは、培養した脾臓細胞には結合せず、図2に示したように、活性型ビタミンD<sub>3</sub>で培養した骨芽細胞様ストローマ細胞にのみ特異的に結合した。 10

このことから、本発明蛋白質は活性型ビタミンD<sub>3</sub>とデキサメサゾンにより骨芽細胞様ストローマ細胞上に誘導される膜結合蛋白質であることが明らかになった。

【0062】

【実施例5】

本発明蛋白質の生物活性

(1)骨芽細胞様ストローマ細胞の破骨細胞形成支持能

骨芽細胞の破骨細胞形成支持能は、形成される破骨細胞の酒石酸耐性酸性フォスファターゼ活性(TRAP活性)を測定することによって評価した。即ち、ddyマウス(8-12週齢)の脾臓細胞(2×10<sup>5</sup> cells/100μl/well)とマウス骨芽細胞様ストローマ細胞ST2(5×10<sup>3</sup> cells/100μl/well)を10<sup>-8</sup>M活性型ビタミンD<sub>3</sub>、10<sup>-7</sup>Mデキサメサゾン、及び10%牛胎仔血清を加えた MEM培地に懸濁させ、96ウェルプレートに播種した。CO<sub>2</sub>インキュベーター中で1週間培養した後、各ウェルをリン酸塩緩衝生理食塩水で洗浄し、更に100μlのエタノール/アセトン(1:1)を加えて、室温で1分間固定した。固定後、5mM p-nitrophenol phosphateと10mM酒石酸ナトリウムを含む50mMクエン酸緩衝液、pH 4.5、100μlを各ウェルに加え、室温で15分間反応させた。反応後、0.1N NaOH溶液を各ウェルに添加し、405nmの吸光度をマイクロプレートリーダーで測定した。RIKEN CELL BANKから購入した後の継代数約10代のST2細胞と継代数約40代のST2細胞の破骨細胞形成支持能を試験した結果を図3に示す。この結果から、継代数の多いST2細胞は破骨細胞形成支持能が高いことが明らかになった。 30

【0063】

(2)活性型ビタミンD<sub>3</sub>及びデキサメサゾン存在下での培養における骨芽細胞様ストローマ細胞膜上の本発明蛋白質発現の経時変化と共培養系における破骨細胞形成の経時変化

実施例4 (3)と同様に、骨芽細胞様ストローマ細胞株ST2を活性型ビタミンD<sub>3</sub>及びデキサメサゾン存在下で7日間培養した。OCIF結合試験は、実施例4 (1)に記載した<sup>125</sup>I標識OCIF(モノマータイプ)を用いて行った。非特異的結合は400倍濃度の非標識OCIFを用いて<sup>125</sup>I標識OCIFのST2細胞への結合を競合させることにより測定した。その結果、活性型ビタミンD<sub>3</sub>とデキサメサゾンにより、培養日数の経過と共に<sup>125</sup>I標識OCIFの特異的結合量が上昇した。即ち、図4及び図5に示したように本発明蛋白質は活性型ビタミンD<sub>3</sub>によりST2細胞の表面に培養日数と共に発現し、その発現は培養4日目に最大に達した。一方、マウス脾臓細胞とST2細胞の共培養を活性型ビタミンD<sub>3</sub>存在下で行うことにより、破骨細胞様の細胞が形成される。破骨細胞のマーカー酵素であるTRAP陽性の単核前破骨細胞様細胞は培養3、4日目には形成され、さらに分化、成熟したTRAP陽性の多核細胞は培養5、6日目に形成される。本発明蛋白質の発現の経時変化と破骨細胞形成のそれとは良く相関していることが明らかになった。 40

【0064】

(3)共培養期間において、種々の培養期間のみOCIF処理した場合の破骨細胞形成抑制効果  
本発明蛋白質が破骨細胞形成に関与する因子であることを更に明確にするために、前述の実施例5 (2)における6日間の共培養期間において、種々の培養期間(各2日間、但し5日目のみ1日間)の細胞を、100ng/mlのOCIFで処理した。 50

その結果、図6に示したように、ST2細胞上に最も本発明蛋白質が発現される培養48-96時間目でのOCIF処理が最も効果的に破骨細胞の形成を抑制した。即ち、OCIFは本発明蛋白質を介してST2細胞に結合することにより、破骨細胞形成を抑制することが明らかになった。

以上の結果から、本発明蛋白質は活性型ビタミンD<sub>3</sub>とデキサメサゾンにより骨芽細胞様ストローマ細胞膜上に誘導され、破骨細胞の分化、成熟を支持又は促進する因子としての生物活性(作用)を有することが明らかになった。

【0065】

【実施例6】

#### <sup>125</sup>I標識OCIFと本発明蛋白質とのクロスリンク試験

本発明蛋白質の存在をさらに確認するため、<sup>125</sup>I標識OCIFと本発明蛋白質とのクロスリンクを行った。実施例4 (3)と同様にマウス骨芽細胞様細胞株ST2を活性型ビタミンD<sub>3</sub>及びデキサメサゾン存在下及び非存在下で4日間培養した。

細胞をリン酸塩緩衝生理食塩水1mlで洗浄した後、上記の<sup>125</sup>I標識OCIF(モノマー型)25ng/ml、又はW096/26217号公報にある配列表配列番号76記載の蛋白質を動物細胞で発現させ上記の方法で標識することにより得られた<sup>125</sup>I標識OCIF CDDI 40ng/mlを加えた結合試験用培地(0.2%牛血清アルブミン、20mM HEPES緩衝液、0.2% NaN<sub>3</sub>、及び100µg/mlヘパリンを加えたMEM培地)200µlを添加した。又、別のウェルには、400倍濃度のOCIFを更に添加した結合試験用培地を添加し、非特異的吸着試験に供した。CO<sub>2</sub>インキュベーター中で1時間培養した後、100µg/mlヘパリンを加えたリン酸塩緩衝生理食塩水1mlで3回洗浄した。

これらのウェルに100µg/mlのクロスリンク剤、DSS(Disuccinimidyl suberate、Pierce社)を溶解させたリン酸塩緩衝生理食塩水500µlを加え、0℃で10分間反応させた。これらのウェルの細胞を0℃に冷却したリン酸塩緩衝生理食塩水1mlで2回洗った後、1% Triton X-100、2mM PMSF(phenylmethylsulfonyl fluoride)、10µM pepstatin、10µM leupeptin、10µM antipain、及び2mM EDTAを加えた20mM HEPES緩衝液100µlを各ウェルに加え室温に30分間放置して細胞を溶解させた。これらのサンプル15µlを常法により非還元条件下でSDS化した後、SDS ポリアクリルアミド電気泳動用ゲル(4-20%ポリアクリルアミドグラジェント、第一化学社)を用いて泳動させた。泳動後、ゲルを乾燥させ、BioMax MSフィルム(Kodak社)とBioMax MS増感スクリーン(Kodak社)を用いて80℃で24時間感光させた。感光させたフィルムを常法により現像した。

<sup>125</sup>I標識OCIF(モノマー型、60kDa)を用いた場合には分子量約90,000-10,000のクロスリンクされた蛋白質が検出された。又、<sup>125</sup>I標識OCIF-CDDI(31kDa)を用いた場合、図7に示すように約70-80kDa(平均78kDa)のクロスリンクされた蛋白質が検出された。

【0066】

【実施例7】

#### ST細胞上に発現する本発明蛋白質のScatchard Plotによる解析

上記の<sup>125</sup>I標識OCIF(モノマー型)を1,000pMになるように加えた結合試験用培地(0.2%牛血清アルブミン、20mM HEPES緩衝液、0.2% NaN<sub>3</sub>を加えたMEM培地)を調製し、結合試験用培地を用い、1/2希釈倍率で段階的に希釈した。又、非特異的な結合を求めるため、これらの溶液に更に400倍濃度の未標識モノマー型OCIFを添加した溶液を調製した。調製したこれらの溶液200µlを10<sup>-8</sup>M活性型ビタミンD<sub>3</sub>(Calcitriol)と10<sup>-7</sup>Mデキサメサゾン存在下で4日間培養した上記のST2細胞(約10継代目)のウェルに加え、実施例4 (3)と同様の方法で<sup>125</sup>I標識OCIFの結合を試験した。得られた結果を常法に従ってScatchard Plotし、OCIFとOCIF結合蛋白質の解離定数とST2細胞当たりのOCIF結合蛋白質の個数(サイト数)を求めた。

その結果、OCIFと本発明蛋白質の解離定数は280pM、ST2細胞当たりのOCIF結合蛋白質のサイト数は約33,000個/細胞であった。又、実施例5 (1)に記載したように、約40継代培養したST2細胞は破骨細胞形成支持能が10継代培養したST2細胞よりも高かったことから、前者のST2細胞上に発現した本発明蛋白質のサイト数を測定したところ、サイト数が58,000個/細胞であり、明らかに10継代培養したST2細胞よりも多く、本発明蛋白質の発現量の多

10

20

30

40

50

寡がST2細胞による破骨細胞形成支持能の強弱に繋がっていることが明らかになった。このことは、本発明蛋白質は破骨細胞の分化、成熟を支持又は促進する因子であることを示す。

【0067】

【実施例8】

#### OBMcDNAのクローニング

##### (1)マウスST2細胞からのRNAの抽出

マウス骨芽細胞様ストローマ細胞株ST2(RIKEN CELL BANK, RCB0224)は、10%牛胎児血清を含むMEM培地(ギブコBRL社)を用いて培養した。付着細胞用225cm<sup>2</sup>T フラスコでコンフルエントになるまで培養したST2細胞を、トリプシン処理してT フラスコから剥がし洗淨した後、5枚の225cm<sup>2</sup>T フラスコに移し、10<sup>-8</sup>M活性化ビタミンD<sub>3</sub>(Calcitriol、和光純薬社)、10<sup>-7</sup>Mデキサメサゾン、及び10%牛胎児血清を添加したMEM培地を各々60mlずつ加えてCO<sub>2</sub>インキュベーター中で5日間培養した。培養したST2細胞からISOGEN(和光純薬社)を用いて総RNAを抽出した。総RNA約600μgからOligo(dT) celluloseカラム(5' 3'Prime社)を用いてポリA<sup>+</sup>RNAを調製した。約8μgのポリA<sup>+</sup>RNAを得た。

10

【0068】

##### (2)発現ライブラリーの構築

実施例8-(1)で得られたポリA<sup>+</sup>RNA 2μgからGreat Lengths cDNA Synthesis kit(Clontech社)を用い、その説明書に従い二本鎖cDNAを合成した。即ち、ポリA<sup>+</sup>RNA 2μgとOligo(dT)<sub>25</sub>(dN)プライマーを混合し蒸留水を加え最終容量を6.25μlとし、70℃で3分保温後、氷中で2分冷却した。この溶液に蒸留水2.2μl、5X First-strand buffer 2.5μl、100mM DTT(ジチオスレイトール)0.25μl、PRIME RNase Inhibitor (1U/ml) (5' 3'Prime社) 0.5μl、5倍希釈した[<sup>32</sup>P] dCTP(アマシャム社、3000 Ci/mmol、2μCi/μl) 0.5μl、dNTP(各20mM) 0.65μl、MMLV (RNaseH<sup>-</sup>)逆転写酵素1.25μl(250ユニット)を加え、42℃で90分保温した。さらに、蒸留水を62.25μl、5X second-strand buffer 20μl、dNTP(各20mM) 0.75μl、Second-strand enzyme cocktail 5μlを添加し、16℃で2時間保温した。この反応液にT4DNA polymerase 7.5ユニットを加え、16℃でさらに30分保温後0.2M EDTA 5μl添加して反応を停止し、フェノール・クロロフォルム処理後、エタノール沈殿を行った。この二本鎖cDNAの末端にEcoRI-Sal I-Not Iリンカー(Clontech社)を付加し末端をリン酸化した。サイズフラクショネーション用カラムにより500bp以上のcDNAを分離し、エタノール沈殿を行った。沈殿したDNAを水に溶解し、あらかじめ制限酵素EcoRI(宝酒造社)切断及びCIAP(ウシ小腸アルカリフォスファターゼ、宝酒造社)処理して調製したpcDL-SR 296 (Molecular and Cellular Biology, Vol.8, pp466-472、1988)に挿入した。

20

30

【0069】

##### (3) OCIFとの結合を指標とした発現ライブラリーのスクリーニング

実施例8-(2)で得られたDNAを用い大腸菌、XL2 BlueMRF' (東洋紡社)を形質転換し、1ウェルあたり約100コロニーとなるように細胞培養用24ウェルプラスチックプレートに調製したLカーベニシリン寒天培地(1%トリプトン、0.5%イーストエキス、1%NaCl、60μg/mlカーベニシリン、1.5%寒天)上に増殖させた。各ウェル中の形質転換株を3mlのTerrific Brothアンピシリン培地(1.2%トリプトン、2.4%イーストエキス、0.4%グリセロール、0.017M KH<sub>2</sub>PO<sub>4</sub>、0.072M K<sub>2</sub>HPO<sub>4</sub>、100μg/mlアンピシリン)に懸濁し、37℃で一晩振盪培養した。遠心により集菌しQIAwell kit(QIAGEN社)を用いてプラスミドDNAを調製した。260nmにおける吸光度によりDNA含量を測定し、エタノール沈殿により濃縮し、200ng/μlとなるように蒸留水に溶解した。この様にしてそれぞれ約100個のコロニーから由来するDNAプールを500プール調製し、COS-7細胞(RIKEN CELL BANK, RCB0539)へのトランスフェクションに用いた。COS-7細胞を24ウェルプレートに8×10<sup>4</sup>細胞/ウェルとなるように播種し、10%牛胎児血清を含むDMEM培地を用いて、CO<sub>2</sub>インキュベーター中で37℃にて一晩培養した。翌日、培地を除いた後、無血清DMEM培地で細胞を洗淨した。トランスフェクション用試薬リポフェクトアミン(ギブコBRL社)添付のプロトコールに従い、予めOPTI-MEM培地(ギブコBRL社)を用いて希釈しておいた前記プラスミドDNAとリポフェクトアミン(ギブコBRL社)を

40

50

混合し、15分後この混合液を各ウェルの細胞に加えた。用いたDNA及びリポフェクタミンの量はそれぞれ1 $\mu$ g及び4 $\mu$ lとした。5時間後、培地を除去し、1mlの10%牛胎児血清を含むDMEM培地(ギブコ社)を添加し、CO<sub>2</sub> インキュベーター中(5%CO<sub>2</sub>)、37<sup>o</sup>Cで2-3日培養した。上記の様にトランスフェクトし2-3日培養したCOS-7細胞を無血清DMEM培地で洗浄した後、<sup>125</sup>I標識したOCIF 20ng/mlを加えた結合試験用培地(0.2%牛血清アルブミン、20mM HEPES緩衝液、0.1mg/ml heparin及び0.02% NaN<sub>3</sub>を加えた無血清DMEM培地) 200 $\mu$ lを各ウェルに加えた。CO<sub>2</sub> インキュベーター中(5% CO<sub>2</sub>)で37<sup>o</sup>C 1時間培養した後、細胞を0.1mg/ml heparinを含むリン酸塩緩衝生理食塩水500 $\mu$ lで2回洗浄した。洗浄後、0.1N NaOH溶液 500 $\mu$ lを各ウェルに加え、室温に10分間放置することにより細胞を溶解させ、各ウェル中の<sup>125</sup>Iの量をガンマーカウンター(パッカード社)で測定した。計500 プールをスクリーニングすることにより、OCIFと特異的に結合する蛋白質をコードするcDNAを含むDNAプール1つを分離した。さらに本発明のcDNAを含むDNAプールを細分化し、前記と同様のトランスフェクションとスクリーニング操作を繰り返すことにより、OCIFと結合する蛋白質をコードするcDNAを単離した。このcDNAを含むプラスミドをpOBM291と名付けた。このプラスミドを含む大腸菌は、pOBM291として通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所(現独立行政法人産業技術総合研究所 微生物寄託センター)に受託番号FERM BP-5953として平成9年5月23日に寄託されている。OCIFの<sup>125</sup>I標識ならびにELISAによる<sup>125</sup>I標識OCIFの定量法を以下に示す。OCIFはヨードジェン(Iodogen)法により<sup>125</sup>I標識した。2.5 mg/ml Iodogen-クロロホルム溶液20 $\mu$ lを1.5 mlエッペンドルフチューブに移し、40<sup>o</sup>Cでクロロホルムを蒸発させて、ヨードジェンコートしたチューブを調製した。このチューブを0.5Mリン酸ナトリウム緩衝液(Na-Pi, pH 7.0)400 $\mu$ lで3回洗浄した後、0.5 M Na-Pi, pH 7.0, 5 $\mu$ lを加えた。このチューブにNa-<sup>125</sup>I溶液 (Amersham社、NEZ-033H20)1.3 $\mu$ l(18.5 MBq)を加えた後、直ちに1mg/ml OCIF溶液(モノマー型あるいはダイマー型) 10 $\mu$ lを加え、ボルトクスミキサーで攪拌した後、室温で30秒間放置した。

この溶液を、予め10mg/ml沃化カリウム、0.5M Na-Pi, pH7.0溶液80 $\mu$ lと 5%牛血清アルブミンを含むリン酸塩緩衝生理食塩水(BSA-PBS)5 $\mu$ l を添加しておいたチューブに移し攪拌した。この溶液をBSA-PBSで平衡化しておいたスピンカラム(1ml, G-25 fine, ファルマシア社)に負荷し、2,000rpmで5分間遠心した。カラムから溶出された画分にBSA-PBSを400 $\mu$ l加え攪拌した後、2 $\mu$ lを取り、その放射能をガンマーカウンターで測定した。このようにして調製した<sup>125</sup>I標識OCIF溶液の放射化学純度は 10% TCAにより沈殿する画分の放射能を測定することにより求めた。また、<sup>125</sup>I標識OCIF溶液のOCIF生物活性は、W096/26217号公報記載の方法に従い測定した。また、<sup>125</sup>I標識OCIF濃度は、以下のようにELISAにより測定した。即ち、W096/26217号公報記載のウサギ抗OCIFポリクローナル抗体を2 $\mu$ g/mlになるように溶解させた50mM NaHCO<sub>3</sub>, pH 9.6を100 $\mu$ lずつ96ウェルイムノプレート(Nunc, MaxiSorp<sup>T M</sup>)の各ウェルに加えて4<sup>o</sup>Cで一夜放置した。この液を吸い取った後、ブロックエース(雪印乳業)とリン酸塩緩衝生理食塩水の混合水溶液(混合比25:75)(B-PBS)を200 $\mu$ lずつ各ウェルに加え、室温で2時間放置した。この液を吸い取った後、各ウェルを0.01%Polysorbate 80を含むリン酸塩緩衝生理食塩水(P-PBS)で3回洗浄し、次いで<sup>125</sup>I標識OCIFサンプルあるいはOCIF標準品を添加した B-PBSを100 $\mu$ lずつ各ウェルに加え、室温で2時間放置した。この液を吸い取った後、P-PBS200 $\mu$ lで各ウェルを6回洗浄した。パーオキシダーゼ標識したウサギ抗OCIFポリクローナル抗体をB-PBSで希釈した溶液を100 $\mu$ lずつ各ウェルに加え、室温で2時間放置した。この液を吸い取った後、P-PBS200 $\mu$ lで各ウェルを6回洗浄した。TMB 溶液(TMB Soluble Reagent, High Sensitivity, Scytek社)を100 $\mu$ lずつ各ウェルに加え、室温で2-3分放置した後、停止液(Stopping Reagent, Scytek社)を100 $\mu$ lずつ各ウェルに加えた。各ウェルの450 nmにおける吸光度をマイクロプレートリーダーで測定した。OCIF標準品を用いて作製した検量線より<sup>125</sup>I標識OCIFの濃度を求めた。

【 0 0 7 0 】

#### (4) OBMの全アミノ酸配列をコードするcDNAの塩基配列の決定

実施例8-(3)で得られたOBMcDNAの塩基配列を、タックダイデオキスターミネーターサイクルシークエンシングキット(パーキンエルマー社)を用いて決定した。

10

20

30

40

50

即ち、p0BM291を鑄型とし、直接挿入断片の塩基配列を決定した。また、p0BM291を制限酵素EcoRIで切断し得られた約1.0kbならびに約0.7kbの断片をプラスミドpUC19(宝酒造社)のEcoRI部位に挿入し、それらの断片の塩基配列も決定した。用いたプライマーは、pcDL-SR 296の挿入断片DNAの塩基配列を決定するためのプライマーSRR2、プラスミドpUC19の挿入断片DNAの塩基配列を決定するためのプライマーml3PrimerM3、ml3PrimerRV(ともに宝酒造社)及び0BMcDNAの塩基配列に基づいて設計された合成プライマー0BM#8である。これらプライマーの配列を配列表配列番号3~6に示す。

また、決定された0BMcDNAの塩基配列を配列番号2に、その配列から推定されるアミノ酸配列を配列番号1にそれぞれ示す。

【0071】

〔実施例9〕

#### 本発明cDNAにコードされる蛋白質の発現

プラスミドp0BM291を6ウェルプレートの各ウェル中でCOS-7細胞にリポフェクトアミンを用いてトランスフェクションし、10%牛胎児血清を含むDMEM培地中で2日間培養した。5%透析牛胎児血清を添加した、システイン・メチオニン不含DMEM(大日本製薬社)に培地交換し(800 $\mu$ l/well)15分培養した後、Express Protein Labeling Mix(NEN社、10mCi/ml)を14 $\mu$ l添加した。4時間培養後、10%牛胎児血清を含むDMEM培地を200 $\mu$ l加え1時間培養した。細胞をPBSで2回洗浄後、1%TritonX-100、1%bovine hemoglobin、10 $\mu$ g/ml leupeptin、0.2TIU/ml aprotinin、1mM PMSFを含むTSAバッファー(0.14M NaCl、0.025% NaN<sub>3</sub>を含む10mMTris-HCl(pH 8.0))を0.5ml加え、氷上1時間静置した。ピペッティングにより細胞を破碎した後、4℃で3000Xg 10分間遠心分離し上清を得た。この上清100 $\mu$ lに200 $\mu$ lの希釈バッファー(0.1% TritonX-100、0.1% bovine hemoglobin、10 $\mu$ g/ml leupeptin、0.2TIU/ml aprotinin、1mM PMSFを含むTSAバッファー)を加え、protein A Sepharose(50 $\mu$ l)とともに4℃で1時間振とうさせた後、4℃で1500Xgにて1分間遠心分離し上清を回収することにより、protein A Sepharoseに非特異的に吸着する分画を除いた。この上清に0CIF(1 $\mu$ g)を加え、4℃で1時間振とうさせながら0BMと0CIFを結合させた後、抗0CIFポリクローナル抗体(50 $\mu$ g)を加えて4℃で1時間振とうした。これにprotein A Sepharose(10 $\mu$ l)を加えさらに4℃で1時間振とうした。4℃で1500Xgにて1分間遠心分離し沈澱画分を回収した。4℃、1500Xgで1分間の遠心分離による沈澱の洗浄を、希釈バッファーで2回、bovine hemoglobinを含まない希釈バッファーで2回、TSAバッファーで1回、50mM Tris-HCl(pH 6.5)で1回行った。洗浄後、沈澱に10%メルカプトエタノールを含むSDSバッファー(0.125MTris-HCl、4%ドデシル硫酸ナトリウム、20%グリセロール、0.002%プロモフェノールブルー、pH 6.8)を加え、100℃で5分加熱後SDS-PAGE(12.5%ポリアクリルアミドゲル、第一化学社)を行った。常法によりゲルを固定した後、Amplify(アマシャム社)により、アイソトープのシグナルを増強した後、Bio Max MRフィルム(KODAK社)を用いて-80℃で感光させた。結果を図8に示す。

本発明cDNAにコードされる蛋白質の分子量は約40,000であることが示された。

【0072】

〔実施例10〕

#### 本発明cDNAにコードされる蛋白質と0CIFとの結合

プラスミドp0BM291を24ウェルプレートの各ウェル中でCOS細胞にリポフェクトアミンを用いてトランスフェクトし、その細胞を2-3日培養したのち無血清DMEM培地で洗浄し、これに<sup>125</sup>I標識した0CIF 20ng/mlを加えた結合試験用培地(0.2%牛血清アルブミン、20mM HEPES緩衝液、0.1mg/ml heparin、0.2% NaN<sub>3</sub>を加えた無血清DMEM培地)200 $\mu$ lを加えた。また別のウェルには、<sup>125</sup>I標識した0CIF 20ng/mlに加えて8 $\mu$ g/mlの非標識0CIFを更に添加した結合試験用培地を200 $\mu$ l加えて実験を行った。CO<sub>2</sub>インキュベーター中(5% CO<sub>2</sub>)で37℃にて1時間培養した後、細胞を0.1mg/mlのheparinを含むリン酸緩衝生理食塩水500 $\mu$ lで2回洗浄した。洗浄後、0.1N NaOH溶液500 $\mu$ lを各ウェルに加え、室温に10分間放置することにより細胞を溶解させ、ウェル中の<sup>125</sup>Iの量をガンマカウンターで測定した。その結果、図9に示したようにプラスミドp0BM291をトランスフェクトした細胞にのみ<sup>125</sup>I

10

20

30

40

50

I標識したOCIFが結合することが確認された。また、その結合は、400倍濃度のOCIFを添加することで著しく阻害されることが確認された。以上の結果から、プラスミドp0BM291上のcDNAにコードされる蛋白質、OBMは、COS-7細胞表面でOCIFと特異的に結合することが明らかとなった。

#### 【0073】

〔実施例11〕

##### <sup>125</sup>I標識したOCIFと本発明cDNAにコードされる蛋白質とのクロスリンク試験

本発明cDNAにコードされる蛋白質の性質をさらに詳しく解析するため、<sup>125</sup>I標識したモノマー型OCIFと本発明cDNAにコードされる蛋白質とのクロスリンクを行った。実施例8-(3)に記載の方法に従ってプラスミドp0BM291をCOS-7細胞にトランスフェクトした後、上記の<sup>125</sup>I標識したOCIF (25ng/ml) を加えた結合試験用培地200μlを添加した。また、別のウェルには、<sup>125</sup>I標識したOCIFに加え400倍濃度の非標識OCIFをさらに添加した結合試験用培地を加えた。CO<sub>2</sub>インキュベーター中(5% CO<sub>2</sub>)で37℃1時間培養した後、細胞を0.1mg/ml heparinを含むリン酸塩緩衝生理食塩水500μlで2回洗浄した。この細胞に100μg/mlのクロスリンク剤、DSS (Disuccinimidyl suberate, Pierce社)を溶解させたリン酸塩緩衝生理食塩水500μlを加え、0℃で10分間反応させた。これらのウェルの細胞を0℃に冷却したリン酸緩衝生理食塩水1mlで2回洗った後、この細胞に1% Triton X-100(和光純薬社)、2mM PMSF (phenylmethylsulfonyl fluoride、シグマ社)、10μM pepstatin (和光純薬社)、10μM leupeptin(和光純薬社)、10μM antipain (和光純薬社)、及び2mM EDTA (和光純薬社)を含む20mM Hepes緩衝液100μlを加え、室温に30分間放置して細胞を溶解させた。これらのサンプル15μlを常法により還元条件下でSDS化した後、SDS-電気泳動用ゲル(4-20% ポリアクリルアミドグラジエント、第一化学社)を用いて泳動した。泳動後、ゲルを乾燥させ、BioMax MSフィルム(Kodak社)とBioMaxMS増感スクリーン(Kodak社)を用いて-80℃で24時間感光させた。感光させたフィルムを常法により現像した。この結果、<sup>125</sup>I標識モノマー型OCIFと本発明cDNAによりコードされる蛋白質をクロスリンクさせることにより、図10に示すように分子量約90,000-110,000のバンドが検出された。

#### 【0074】

〔実施例12〕

##### ノーザンブロットによる解析

附着細胞用25cm<sup>2</sup>T フラスコでコンフルエントになるまで培養したST2細胞を、トリプシン処理してT フラスコから剥がし洗浄した後、1枚の225cm<sup>2</sup>T フラスコに播種し、10<sup>-8</sup>M 活性化ビタミンD<sub>3</sub>、10<sup>-7</sup>M デキサメサゾン、及び10%牛胎児血清を添加したMEM培地各々60mlを加えてCO<sub>2</sub>インキュベーター中で4日間培養した。培養したST2細胞からISOGEN(和光純薬社)を用いて総RNAを抽出した。また、活性化ビタミンD<sub>3</sub>とデキサメサゾン非存在下で培養したST2細胞からも上記の方法で総RNAを抽出した。各総RNA 20μg(4.5μl)にそれぞれ2.0μlの5Xゲル泳動緩衝液(0.2M モルホリノプロパンスルホン酸、pH 7.0、50mM 酢酸ナトリウム、5mM EDTA)、3.5μlのホルムアルデヒド及び10.0μlのホルムアミドを加え55℃で15分保温後、電気泳動に供した。電気泳動用のゲルは1.0%アガロース、2.2M脱イオン化ホルムアルデヒド、40mM モルホリノプロパンスルホン酸 pH 7.0、10mM 酢酸ナトリウム、1mM EDTAの組成で調製した。

また、電気泳動は40mM モルホリノプロパンスルホン酸、pH 7.0、10mM 酢酸ナトリウム、1mM EDTAの緩衝液中で行った。電気泳動後、RNAをナイロンメンブレンにトランスファーした。p0BM291を制限酵素EcoRIで切断して得られた、約1.0kbのDNA断片を、メガプライムDNAラベリングキット(アマシャム社)及び<sup>32</sup>P-dCTP(アマシャム社)を用いて標識したものをプローブとしてハイブリダイゼーションを行った。その結果、図11に示すように、ST2細胞では活性化ビタミンD<sub>3</sub>とデキサメサゾンの存在下で培養した場合に、本発明cDNAにコードされる蛋白質(OBM)の遺伝子発現が強く誘導されていることが明らかとなった。

#### 【0075】

10

20

30

40

50

## 〔実施例13〕

本発明cDNAにコードされる蛋白質の破骨細胞形成支持能

実施例8-(3)に記載の方法でCOS細胞にpOBM291をトランスフェクトした。3日後トリプシナイズした細胞をリン酸塩緩衝生理食塩水で一回遠心洗浄したのち、1%パラフォルムアルデヒドを含むPBSに細胞をサスペンドしながら室温で5分間固定し、PBSにて6回遠心洗浄した。 $10^{-8}$ M活性化ビタミンD<sub>3</sub>、 $10^{-7}$ Mデキサメサゾン、10%牛胎児血清を含むMEM培地にて調製した $1 \times 10^6$ 個/mlのマウス脾臓細胞及び $4 \times 10^4$ 個/mlのST2細胞を24ウェルプレートにそれぞれ700 $\mu$ l、350 $\mu$ l添加したのちTCインサート(Nunc社)を各ウェルにセットした。上記培地にて段階希釈した固定化COS細胞(350 $\mu$ l)及びOCIF(50 $\mu$ l)をTCインサート中に添加して37 $^{\circ}$ Cで6日間培養した。この結果、OCIFによる破骨細胞形成阻害活性が、本発明cDNAにコードされる蛋白質により抑制されることが明らかとなった。

10

【0076】

## 〔実施例14〕

分泌型OBMの発現(1) 分泌型OBM発現プラスミドの構築

OBM HF (配列表配列番号7)とOBM XR (配列表配列番号8)をプライマー、pOBM291を鋳型としPCR反応を行った。この生成物を、アガロースゲル電気泳動で精製した後、制限酵素HindIII、EcoRIで切断し、さらにアガロースゲル電気泳動で精製した。この精製断片(0.6kb)を、pSec TagA(インビトロゲン社)のHindIII/EcoRV断片(5.2kb)と、OBM cDNAのEcoRI/PmaCI断片(0.32kb)とともにライゲーションキットver.2(宝酒造社)を用いてライゲーションを行い、その反応生成物を用いて大腸菌DH5 $\alpha$ を形質転換した。得られたアンピシリン耐性株より、アルカリSDS法によりプラスミドを精製し、制限酵素で切断することによりpSecTagAに0.6Kbと0.32kbの断片が挿入されたプラスミドを選び出した。

20

さらにこのプラスミドにつきダイナーミネーターサイクルシーケンシングFSキット(パーキンエルマー社)を用いてシーケンスを行い、このプラスミドが分泌型OBMをコードする配列(塩基配列:配列表配列番号2の338~1355番、アミノ酸配列:配列表配列番号1の72~316番)を持っていることを確認した。このプラスミドを制限酵素NheI、XhoIで切断した後、分泌型OBM cDNAに相当する断片(1.0kb)をアガロースゲル電気泳動で回収した。この断片をライゲーションキットを用いて発現ベクターpCEP4(インビトロゲン社)のNheI/XhoI断片(10.4kb)に挿入し、その反応生成物を用いて大腸菌DH5 $\alpha$ を形質転換した。得られたアンピシリン耐性株より、アルカリSDS法によりプラスミドを精製し、制限酵素で切断して解析することにより、目的の構造を持った分泌型OBM発現プラスミド(pCEP sOBM)を持つ大腸菌株を選び出した。pCEP sOBMを持つ大腸菌株を培養し、キアフィルタープラスミドミディキット(キアゲン社)を用いてpCEP sOBMを精製した。

30

【0077】

(2)分泌型OBMの発現

293-EBNA細胞を10%FCSを含むIMDM(IMDM-10%FCS)に懸濁し、コラーゲンコートした24ウェルプレート(住友ベークライト社)に $2 \times 10^5$ 個/2ml/ウェルになるように播種し、一晚培養した。この細胞に1 $\mu$ gのpCEP sOBM又はpCEP4をリポフェクトアミン(ギブコ社)4 $\mu$ lを用いて形質導入し、0.5mlの無血清IMDM又はIMDM-10%FCS中でさらに2日間培養し、その培養上清を回収した。分泌型OBMの培養上清中での発現は、以下のようにして確認した。培養上清に最終濃度0.1Mになるよう炭酸水素ナトリウムを加えた後、培養液を96ウェルプレートに添加し、4 $^{\circ}$ Cで一晩放置し、培養上清中のOBMを96ウェルプレートに固相化した。このプレートをPBSで4倍希釈したブロックエース(雪印乳業社)溶液(B-PBS)で室温に2時間放置しブロッキングした後、B-PBSで希釈した3-100ng/mlのOCIFを各ウェルに100 $\mu$ lずつ加え37 $^{\circ}$ Cで2時間放置した。0.05% Tween 20を含むPBS(PBS-T)でプレートを洗浄した後、B-PBSで希釈したW096/26217号記載のパーオキシダーゼ標識ウサギ抗OCIFポリクローナル抗体を各ウェルに100 $\mu$ lずつ添加し、37 $^{\circ}$ Cで2時間放置した。PBS-Tで各ウェルを6回洗浄した後、TMB溶液(TMB Soluble Reagent, High Sensitivity, Scytek社)を100 $\mu$ lずつ各ウェルに加え、室温で約10分放置した後、停止液(Stopping Reagent, Scytek社)を1

40

50

00  $\mu$ l ずつ各ウェルに加えた。各ウェルの 450nmにおける吸光度をマイクロプレートリーダーで測定した。結果を図12に示す。pCEP sOBMを形質導入した細胞の培養上清を固相化したプレートでは、添加したOCIFの濃度に依存して450nmの吸収が増加したが、ベクター-pCEP4を形質導入した細胞の培養上清を固定化した場合は吸収の増加はみられなかった。又、固定化に用いる培養上清の割合を5-90%の範囲で種々に変化させ、一定濃度のOCIF(50ng/ml)を添加した際の実験の結果を図13に示す。pCEP sOBMを形質導入した細胞の培養上清を固相化したプレートでは、培養上清の割合が高くなるほど450nmの吸収が増加したが、ベクター-pCEP4を形質導入した細胞の培養上清を固定化したプレートでは、吸収の増加は見られなかった。以上の結果より、分泌型OBMが、pCEP sOBMを形質導入した細胞の培養上清中に生産されていることが確認された。

10

【 0 0 7 8 】

〔実施例15〕

#### チオレドキシシン OBM 融合蛋白質 (Trx-OBM)の発現

##### (1)チオレドキシシン OBM 融合蛋白質 (Trx-OBM)発現ベクターの構築

10  $\mu$ lの10X ExTaqバッファ(宝酒造社)、8  $\mu$ lの10mM dNTP(宝酒造社)、77.5  $\mu$ lの滅菌蒸留水、2  $\mu$ lのpOBM291水溶液(10ng/ $\mu$ l)、1  $\mu$ lのプライマーOBM3(100pmol/ $\mu$ l、配列表配列番号9)、1  $\mu$ lのプライマーOBMSalR2(100pmol/ $\mu$ l、配列表配列番号10)、0.5  $\mu$ lのExTaq(5u/ $\mu$ l)(宝酒造社)を混合しマイクロ遠心管中でPCR反応を行った。95 5分、50 1秒、55 1分、74 1秒、72 5分の反応後、96 1分、50 1秒、55 1分、74 1秒、72 3分の反応を25サイクル行った。1%アガロースゲル電気泳動により、反応液全量から約750bpのDNA断片をQIAEX II gel extraction kit(QIAGEN社)を用いて精製した。精製したDNA断片全量を制限酵素SalI, EcoRI(宝酒造社)で切断した後、1.5%アガロースゲル電気泳動を行い約160bpのDNA断片(断片1)を精製し20  $\mu$ lの滅菌蒸留水に溶解した。同様に、4  $\mu$ gのpOBM291を制限酵素BamHI, EcoRI(宝酒造社)で切断し得られた約580bpのDNA断片(断片2)、及び2  $\mu$ gのpTrxFus(InVitrogen社)を制限酵素BamHI, SalI(宝酒造社)で切断し得られた約3.6kbのDNA断片(断片3)をそれぞれ精製し、それぞれを20  $\mu$ lの滅菌蒸留水に溶解した。DNA断片の精製にはQIAEXII gel extraction kitを用いた。

20

断片1、断片2、断片3をDNALigation kit ver.2(宝酒造社)を用い、16 で2時間30分保温することにより結合させた。ライゲーション反応液を用い大腸菌GI724株(インビトロゲン社)をThioFusion Expression System(インビトロゲン社)添付のInstruction Manualに記載の方法で形質転換した。得られたアンピシリン耐性形質転換株の中から、制限酵素切断により得られるDNA断片地図の解析並びにDNA配列の決定により、OBMcDNA断片(塩基配列:配列表配列番号2の350~1111、アミノ酸配列:配列表配列番号1の76~316)がチオレドキシシン遺伝子に同じ読み枠で結合しているプラスミドを持つ菌株を選び出した。得られた菌株をGI724/pTrxOBM25と名付けた。

30

【 0 0 7 9 】

##### (2)大腸菌でのOBMの発現

GI724/pTrxOBM25株及びpTrxFusを持つGI724株(GI724/pTrxFus)それぞれを2mlのRMG-Amp培地(0.6%Na<sub>2</sub>HPO<sub>4</sub>, 0.3%KH<sub>2</sub>PO<sub>4</sub>, 0.05%NaCl, 0.1%NH<sub>4</sub>Cl, 1.2%カザミノ酸(Difco社)、1%グリセロール、1mM MgCl<sub>2</sub>, 100  $\mu$ g/mlアンピシリン(Sigma社) pH7.4)で30 で6時間振とう培養した。菌液0.5mlを50mlのInduction培地(0.6%Na<sub>2</sub>HPO<sub>4</sub>, 0.3%KH<sub>2</sub>PO<sub>4</sub>, 0.05%NaCl, 0.1%NH<sub>4</sub>Cl, 0.2%カザミノ酸、0.5%グルコース、1mM MgCl<sub>2</sub>, 100  $\mu$ g/mlアンピシリン、pH 7.4)に添加し、30 で振とう培養した。OD<sub>600nm</sub>での値が約0.5になった時点で最終濃度が0.1mg/mlになるようにL-トリプトファンを添加し、さらに30での振とう培養を6時間継続した。菌液を3000  $\times$  gで遠心し菌体を集め、12.5mlのPBS(10mMリン酸バッファ、0.15M NaCl、pH7.4)に懸濁した。懸濁液を超音波発生装置(Ultrasonic社)にかけ菌体を破碎し、7000  $\times$  gで30分遠心して上清を集め可溶性蛋白質画分とした。この可溶性蛋白質画分液10  $\mu$ lずつを還元条件下でのSDSポリアクリルアミド(10%)電気泳動に供した。この結果、GI724/pTrxOBM25の可溶性蛋白質画分液にはGI724/pTrxFusの可溶性蛋白質画分液には見られない分子量約40kDaのバンドが検出された(図14)。よって、

40

50

チオレドキシンとOBMの融合蛋白質(Trx-OBM)が大腸菌中で発現していることが確認された。

#### 【 0 0 8 0 】

##### (3)Trx-OBMのOCIFとの結合能

発現させたTrx-OBM がOCIFと結合することを以下の実験により確認した。即ち、96ウェル  
 イムノプレート(Nunc社)の各ウェルに10mM炭酸水素ナトリウム水溶液で5000倍に希釈した  
 抗チオレドキシン抗体(インビトロゲン社)を100 $\mu$ lずつ添加し4 $^{\circ}$ Cで一晩放置した。各  
 ウェル中の液を捨てた後、ブロックエース(雪印乳業社)をPBSで2倍希釈した溶液(BA-PB  
 S)を各ウェルに200 $\mu$ lずつ添加し室温で1時間放置した。液を捨てた後、各ウェルにBA-PB  
 Sで段階希釈した上記GI724/pTrxOBM25由来及びGI724/pTrxFus由来可溶性蛋白質画分液 10  
 を100 $\mu$ lずつ添加し室温で2時間放置した。PBS-Tで各ウェルを3回洗浄した後、BA-PBSで  
 希釈したOCIF(100ng/ml)を各ウェルに100 $\mu$ lずつ添加し室温で2時間放置した。PBS-Tで  
 各ウェルを3回洗浄した後、BA-PBSで2000倍希釈したW096/26217号記載のパーオキシダー  
 ゼ標識ウサギ抗OCIFポリクローナル抗体を各ウェルに100 $\mu$ lずつ添加し、2時間室温で放  
 置した。PBS-Tで各ウェルを6回洗浄した後、TMB溶液(TMB Soluble Reagent, High Sensit  
 ivity, Scytek社)を100 $\mu$ lずつ各ウェルに加え、室温で約10分放置した後、停止液(Stopp  
 ing Reagent, Scytek社)を100 $\mu$ lずつ各ウェルに加えた。各ウェルの450nmにおける吸  
 光度をマイクロプレートリーダーで測定した。結果を図15に示す。GI724/pTrxFus由来可  
 溶性蛋白質画分液を添加したものではありませんが、GI724/pTrxOBM25由来可溶性蛋白質画分液を添加したも  
 のでは、その添加濃 20  
 度の増加に依存して吸光度が上昇した。又、添加する可溶性画分液の希釈割合を一定(1%)  
 にし、BA-PBSで段階希釈したOCIF(0-100ng/ml)を添加した場合の実験結果を図16に示す。  
 GI724/pTrxFus由来可溶性蛋白質画分液を用いたものではOCIF濃度に係わりなく吸光度は  
 低いままであったが、GI724/pTrxOBM25由来可溶性蛋白質画分液を用いたものでは添加し  
 たOCIF濃度に依存して吸光度が上昇した。この結果より、GI724/pTrxOBM25で生産される  
 Trx-OBMは、OCIFと結合する能力があることが確認された。

#### 【 0 0 8 1 】

##### (4)Trx-OBMを生産する大腸菌の大量培養

GI724/pTrxOBM25をRMG-Amp寒天培地(0.6%Na<sub>2</sub>HPO<sub>4</sub>、0.3%KH<sub>2</sub>PO<sub>4</sub>、0.05%NaCl、0.1%  
 NH<sub>4</sub>Cl、2%カザミノ酸、1%グリセロール、1mM MgCl<sub>2</sub>、100 $\mu$ g/mlアンピシリン、1.5%寒 30  
 天、pH7.4)に白金耳で塗まつし、30 $^{\circ}$ Cで一晩培養した。菌を10mlのInduction培地に懸濁  
 し、5mlずつを500mlのInduction培地のはいった2L用三角フラスコ計2本に添加し、30 $^{\circ}$   
 Cで振とう培養した。OD<sub>600nm</sub>の値が約0.5になった時点で最終濃度が0.1mg/mlになるよう  
 にL-トリプトファンを添加し、さらに30 $^{\circ}$ Cで振とう培養を6時間継続した。菌液を3000 $\times$ g  
 で20分間遠心分離して菌体を集め、菌体を160mlのPBSに懸濁した。懸濁液を超音波発生  
 装置(Ultrasonics社)にかけ菌体を破碎し、7000 $\times$ gで30分間遠心して上清を集め可溶性  
 蛋白質画分とした。

#### 【 0 0 8 2 】

##### (5)OCIF固定化アフィニティーカラムの調製

TSKgel AF-トレシルトヨパール650(東ソー社)2gとW096/26217号に記載の方法で調製した 40  
 遺伝子組み換え型OCIF 35.0mgを含む1.0Mリン酸カリウム緩衝液(pH7.5)40mlとを混合  
 し4 $^{\circ}$ Cで一晩ゆっくり振とうしカップリング反応を行った。過剰な活性基を不活性化する  
 為、遠心分離により上清を除去した後、40mlの0.1Mトリス塩酸緩衝液(pH7.5)を沈殿した  
 担体に加え、室温で1時間おだやかに振とうした。0.01% Polysorbate 80と0.2M NaClを  
 含む0.1M グリシン 塩酸緩衝液(pH3.3)及び0.01% Polysorbate 80と0.2M NaClを含む  
 0.1M クエン酸ナトリウム緩衝液(pH2.0)を通液しカラムを洗浄した後、0.01% Polysorb  
 ate 80を含む10mM リン酸ナトリウム緩衝液(pH 7.4)で2度洗浄し、平衡化した。

#### 【 0 0 8 3 】

##### (6)OCIF固定化アフィニティーカラムによるTrx-OBMの精製

Trx-OBMの精製は、特に断らない限り4 $^{\circ}$ Cで行った。上記のOCIF固定化アフィニティー担 50

体(10ml)と上記実施例15-(4)記載の可溶性蛋白質画分液(120ml)とを混合後、50ml遠心管(4本)中で、ローターを用いて4で一晩おだやかに振とうした。この混合液中の担体をエコノカラム(バイオラッド社、内径1.5cm 長さ15cm)に充填した。0.01%Polysorbate 80を含むPBS 300ml、0.01% Polysorbate 80 と2M NaClを含む10mMリン酸ナトリウム緩衝液(pH 7.0)100ml、及び0.01% Polysorbate 80 と0.2M NaClを含む0.1 M グリシン 塩酸緩衝液(pH3.3) 100ml を順次通液してカラムを洗浄した。次に、0.01%Polysorbate 80 と0.2M NaClを含む0.1 Mクエン酸ナトリウム緩衝液 (pH2.0) を通液し、カラムに吸着した蛋白質を溶出した。溶出液は5mlずつ分取した。分取した画分には、10%容量の2Mトリス溶液(pH8.0)を加え、直ちに中和した。溶出液各画分中のTrx-OBMの有無を上記実施例15-(3)記載の方法(OCIFとの結合能)により調べた。

10

Trx-OBMを含む画分を集めさらに精製した。

【0084】

#### (7)ゲル濾過によるTrx-OBMの精製

上記実施例15-(6)のTrx-OBMフラクション約25mlを、Centriplus10 及びCentricon 10 (amicon社)を用いて、約0.5mlに遠心濃縮した。このサンプルを、予め0.01 %Polysorbate 80 を含むPBSで平衡化したSuperose 12 HR 10/30 カラム (1.0 x 30cm、ファルマシア社)にかけた。分離には、0.01% Polysorbate 80 を含む PBSを移動相として用い、流速 0.25ml/minで展開した。カラムからの溶出液は0.25 mlずつ分取した。分取した画分のTrx-OBMは、実施例15-(3)記載の方法及びPhast System (ファルマシア社)を用いたSDS-ポリアクリルアミド電気泳動(10-15%ポリアクリルアミドゲル、ファルマシア社)と銀染色で検出した。純化されたTrx-OBMを含むフラクション(Fr.20-23)を集め、Trx-OBMの蛋白質濃度を測定した。蛋白質濃度の測定は、ウシ血清アルブミンを標準品として用いDC-protein assay kit (バイオラッド社)で行った。

20

【0085】

〔実施例16〕

#### OBMの破骨細胞形成誘導活性

pOBM291及びpcDL-SR 296 をリポフェクトアミン(ギブコ社)を用いてCOS-7細胞にそれぞれトランスフェクトした。それぞれの細胞を10%FCSを含むDMEMで1日培養後トリプシン処理し、カバーグラス(15mm 丸形、マツナミ社)を敷いた24ウェルプレートに1ウェルあたり $5 \times 10^4$ 個の細胞を播種し、さらに2日間培養した。培養プレートをPBSで1回洗浄したのち、1%パラフォルムアルデヒドを含むPBSを加えて室温で8分間インキュベートし細胞を固定した。細胞を固定したプレートをPBSにて6回洗浄したのち、 $10^{-8}$ M 活性型ビタミンD<sub>3</sub>、 $10^{-7}$ Mデキサメサゾン、10%牛胎児血清を含む -MEMにて $1 \times 10^6$  個/mlに懸濁したマウス脾臓細胞を1ウェルあたり700  $\mu$ l添加した。各ウェル上にMillicell PCF(ミリポア社)をセットし、上記培地にて $4 \times 10^4$  個/mlに懸濁したST2細胞をMillicell PCF中に 700  $\mu$ l 添加し37、6日間培養した。培養終了後、Millicell PCFを取り除き、プレートをPBS で1回洗浄後、アセトン エタノール溶液(50:50)で1分間細胞を固定した後、LEUKOCYTE ACID PHOSPHATASEキット (シグマ社)を用いて破骨細胞特異的マーカーである酒石酸耐性酸性フォスファターゼ活性(TRAP活性)を示す細胞のみを染色した。顕微鏡観察の結果、pcDL-SR 296をトランスフェクトしたCOS-7細胞を固定したウェル中にはTRAP活性を示す細胞は全く検出されなかったのに対し、pOBM291 をトランスフェクトした細胞を固定したウェル中には $45 \pm 18$ 個(平均 $\pm$ 標準偏差、n=3)のTRAP陽性細胞が観察された。又、これらのTRAP陽性細胞に、カルシトニンが結合することも確認された。これより、OBMには破骨細胞形成を誘導する活性があることが明らかとなった。

30

40

【0086】

〔実施例17〕

#### Trx-OBM及び分泌型OBMによる破骨細胞形成誘導活性

マウス脾臓細胞を $10^{-8}$  M活性型ビタミンD<sub>3</sub>、 $10^{-7}$  M デキサメサゾン、10%牛胎児血清を含む -MEMに $2 \times 10^6$  個/mlになるように懸濁し、この懸濁液を24ウェルプレートに1ウェルあたり350  $\mu$ l添加した。精製したTrx-OBMを上記培地で希釈した溶液(40ng/ml)、pCE

50

P sOBM 又はpCEP4 を形質導入した293-EBNA細胞をIMDM-10 %FCS で培養した培養上清を上記培地にて10倍希釈した溶液、又は上記培地のみをそれぞれ350  $\mu$ l 上記のウェルに添加した後、Millicell PCF(ミリポア社)を各ウェルにセットし、上記培地にて懸濁した4  $\times$  10<sup>4</sup> 個/ml のST2細胞をMillicell PCF に600  $\mu$ l 添加した。6日間培養した後、Millicell PCFを取り除き、プレートをPBSで一回洗浄後、アセトン エタノール溶液(50:50)で1分間細胞を固定したのち、LEUKOCYTE ACID PHOSPHATASEキット (シグマ社)を用いて酒石酸耐性酸性フォスファターゼ活性 (TRAP活性)を示す細胞のみを染色した。顕微鏡観察の結果、Trx-OBMを添加しなかったウェル中にはTRAP活性を示す細胞は全く検出されなかったのに対し、Trx-OBMを添加したウェルには106  $\pm$  21個(平均  $\pm$  標準偏差、n=3)のTRAP陽性細胞が観察された。同様にpCEP4で形質導入された293-EBNAの培養上清を添加したウェル中にはTRAP活性を示す細胞は全く検出されなかったのに対し、pCEP sOBM で形質導入された293-EBNAの培養上清を添加したウェルには120  $\pm$  31個(平均  $\pm$  標準偏差、n=3)のTRAP陽性細胞が観察された。又、これらのTRAP陽性細胞に、カルシトニンが結合することも確認された。これより、Trx-OBM及び分泌型OBMには、破骨細胞形成を誘導する活性があることが明らかとなった。

【0087】

〔実施例18〕

本発明のcDNAにより発現される蛋白質OBMと本発明の天然型のOCIF結合蛋白質との同一性

(1)ウサギ抗OBMポリクローナル抗体の作製

雄性日本白色ウサギ (体重2.5-3.0 kg、北山ラベス社より入手)3羽に、実施例14-(6)及び(7)記載の方法により得られた精製OBM(チオレドキシン-OBM融合蛋白質) 200  $\mu$ g/mlをフロイント完全アジュバント (DIFCO社)と等量混合してエマルジョンとしたものを、1回1mlずつ皮下免疫した。免疫は1週間間隔で合計6回行い、最終免疫後10日目に全採血を行った。分離した血清から抗体を以下の様に精製した。即ち、PBSで2倍希釈した抗血清に最終濃度が40% (w/v %)となるように硫酸アンモニウムを添加して4  $\times$  で1時間放置後、8000 x gで20分間遠心分離を行い、沈殿を得た。沈殿を少量のPBSに溶解し、PBS に対して4  $\times$  で透析した後、Protein G-Sepharose カラム (ファルマシア社製) に負荷した。PBS で洗浄後、0.1 M グリシン 塩酸緩衝液(pH 3.0) で吸着した免疫グロブリンGを溶出し、直ちに1.5Mトリス 塩酸緩衝液 (pH 8.7) で中性pHとした。溶出蛋白質画分をPBS に対して透析後、280nmにおける吸光度を測定し、その濃度を決定した(E<sup>1</sup> % 13.5)。西洋ワサビパーオキシダーゼ標識した抗 OBM抗体は、マレイミド活性化パーオキシダーゼキット(ピアス社)を用いて作製した。即ち、1mgの精製抗体に80  $\mu$ gのN-スクシンイミド-S-アセチルチオ酢酸を添加し、室温で30分間反応させた。これに5mgのヒドロキシルアミンを添加して脱アセチル化した後、修飾された抗体をポリアクリルアミド脱塩カラムにて分画した。蛋白質画分を1mgのマレイミド活性化パーオキシダーゼと混合し、室温で1時間反応させ酵素標識抗体を得た。

【0088】

(2)ウサギ抗OBMポリクローナル抗体による本発明のcDNAにより発現される蛋白質(OBM)あるいは本発明の天然型の蛋白質とOCIFとの特異的結合能の阻害

実施例15 (6)及び(7)記載の方法で得られた精製OBM(チオレドキシン - OBM融合蛋白質)及び実施例2-(4)の天然型精製OCIF結合蛋白質をそれぞれ0.1 M 炭酸水素ナトリウムに2  $\mu$ g/mlとなるように溶解し、それぞれの溶液100  $\mu$ lずつを96ウェルイムノプレート(Nunc社製)の各ウェルに加え、4  $\times$  で一夜放置した。各ウェルに50%濃度のブロックエースを200  $\mu$ lずつ加え、室温で1時間放置した。各ウェルを0.1 %ポリソルベート20を含むPBS(P20-PBS)で3回洗浄した後、P20-PBSで希釈した25%濃度のブロックエースにウサギ抗OBM抗体を200  $\mu$ g/mlとなるように溶解し、その抗体溶液あるいは抗体を含まない25%濃度のブロックエース溶液を100  $\mu$ lずつ各ウェルに添加し、37  $^{\circ}$ C、1時間インキュベートした。各ウェルをP20-PBSで3回洗浄した後、実施例8-(3)記載の<sup>125</sup>I標識したOCIF20ng/mlを加えた結合試験溶液(0.2%牛血清アルブミン、20mM HEPES、0.1mg/mlヘパリンを加えたP20-PBS)を100  $\mu$ lずつ各ウェルに添加した。又、別のウェルには、<sup>125</sup>I標識したOCIF 20ng/mlに加えて8  $\mu$ g

10

20

30

40

50

/mlの非標識OCIFを含む結合試験溶液を100  $\mu$ l 加えて実験を行った。そのイムノプレート<sup>37</sup>、1時間インキュベートした後、各ウェルをP20-PBSで6回洗浄した。各ウェル中の<sup>125</sup>Iの量をガンマーカウンターで測定した。結果を図17に示す。図に示したように、本発明cDNAにより発現され、精製して得られるOBM及び本発明の天然型のOCIFに特異的に結合する蛋白質は、ウサギ抗OBMポリクローナル抗体で処理することによって、<sup>125</sup>I標識したOCIFとの結合は全く起こらなかった。一方、抗体処理しなかった両蛋白質には、<sup>125</sup>I標識OCIFが結合することが確認された。又、それらの結合は400倍濃度の非標識OCIF(8  $\mu$ g/ml)を添加することにより顕著に阻害されることから、両蛋白質のOCIFへの結合は特異的結合であることが明らかになった。以上の結果から、ウサギ抗OBMポリクローナル抗体は、本発明cDNAにより発現される蛋白質であるOBM及び本発明の天然型のOCIF結合蛋白質を共に認識し、両蛋白質とOCIFとの特異的結合を阻害することが明らかになった。

10

【0089】

〔実施例19〕

ヒトOBMcDNAのクローニング(1)マウスOBMプライマーの調製

ヒトOBMcDNAのスクリーニングには、上記の実施例の方法に従い調製したマウスOBMプライマー、OBM#3及びOBM#8を用いた。それぞれの配列を配列表配列番号9及び6に示す。

【0090】

(2)PCRによるヒトOBMcDNA断片の取得

ヒトリンパ節由来cDNAライブラリーとしてHuman Lymph Node Marathon ready cDNA(クオンテック社)を鋳型として、上記(1)で調製したマウスOBMcDNAプライマーを用いて、PCRを行いヒトOBMcDNA断片を取得した。

20

以下に用いたPCRの条件を示す。

10×EX Taq バッファー(宝酒造社)	2	$\mu$ l
2.5 mM dNTP	1.6	$\mu$ l
cDNA溶液	1	$\mu$ l
EX Taq (宝酒造社)	0.2	$\mu$ l
蒸留水	14.8	$\mu$ l
40 $\mu$ MプライマーOBM#3	0.2	$\mu$ l
40 $\mu$ MプライマーOBM#8	0.2	$\mu$ l

30

上記溶液をマイクロフュージチューブ中で混合後、以下の条件でPCRを行った。95 で2分間前処理し、95 30秒、57 30秒及び72 2分30秒間の3段階の反応を40回繰り返した後、72 で5分間保温した。反応液の一部をアガロース電気泳動に供したところ、上記マウスOBMcDNAプライマーで増幅される約690bpのDNA断片が検出された。

【0091】

(3)PCRにより増幅されたヒトOBMcDNA断片の精製と塩基配列の決定

40

実施例19-(2)で得られたヒトOBMcDNA断片をアガロース電気泳動により分離し、さらにQIAEXゲルエクストラクションキット(キアゲン社)を用いて精製した。

この精製されたヒトOBMcDNA断片を鋳型として、再度上記マウスOBMcDNAプライマーを用いてPCRを行い、このヒトOBMcDNA断片を大量に調製し、同様にQIAEXゲルエクストラクションキットにより精製した。精製されたヒトOBMcDNA断片の塩基配列を、OBM#3及びOBM#8(配列表9及び6)をプライマーとして、タックダイデオキシターミネーターサイクルシーケンシングFSキット(Taq Dye Deoxy Terminator Cycle Sequencing FS kit;パーキンエルマー社)を用いて決定した。このヒトOBMcDNA断片の塩基配列は、マウスOBMcDNAの相当する領域と比較した結果、80.7%の相同性を示した。

【0092】

50

(4) 約690 bpのヒトOBMcDNA 断片をプローブとしたハイブリダイゼーション法による全長ヒトOBMcDNA のスクリーニング

実施例19-(3)で精製された約690 bpのヒトOBMcDNA断片をメガプライム DNAラベリングキット(アマシャム社)を用いて[<sup>32</sup>P] dCTP で標識し、全長のヒトOBMcDNAをスクリーニングした。スクリーニングの対象としては、Human Lymph Node 5'-STRETCH PLUS cDNAライブラリー(クロンテック社、USA)を用いた。同社のプロトコールに従い、組み換えファージを37℃で15分間大腸菌C600 Hflに感染させた後、その大腸菌を45℃に加温したLB寒天培地(1%トリプトン、0.5%イーストエキス、1% NaCl、0.7%寒天)に添加し、1.5%寒天を含むLB寒天培地プレート上に流し込んだ。37℃で一晩培養後、プラークの生じたプレート上にハイボンドN(アマシャム社)を約3分間密着させた。このフィルターを常法に従いアルカリ変性処理した後、中和し、2×SSC溶液に浸した後、UVクロスリンク(ストラタジーン社)によりDNAをフィルターに固定した。得られたフィルターをRapid-hyb バッファー(アマシャム社)に浸漬し、65℃で15分間前処理した後、熱変性した上記ヒトOBMcDNA断片(約690bp、5×10<sup>5</sup> cpm/ml)を添加した上記バッファーに移し替え、65℃で一晩ハイブリダイゼーションさせた。反応後、フィルターをそれぞれ0.1%SDSを含む2×SSC、1×SSC及び0.1×SSCで順次1回ずつ65℃で15分間洗浄した。得られたいくつかの陽性クローンをさらに2回スクリーニングを繰り返すことにより純化した。それらの中から、約2.2kbのインサートを持つクローンを選択し、以下の実験に用いた。この純化したファージを hOBMと名付けた。純化した hOBMからQIAGEN Lambdaキット(キアゲン社)のプロトコールに従い、約10μgのDNAを得た。このDNAを制限酵素SalIで消化した後、アガロース電気泳動により約2.2kbのhOBMインサートcDNAを分離した。QIAEXゲルエクストラクションキット(キアゲン社)を用いて精製したこのDNA断片を、あらかじめ制限酵素SalIで切断し、脱リン酸化しておいたプラスミドpUC19(MBI社)にDNAライゲーションキット ver.2(宝酒造社)を用いて挿入した。得られたDNA断片を含むpUC19で大腸菌DH5α(ギブコBRL社)を形質転換させた。得られた形質転換株はpUC19hOBMと名付け、これを増殖させ、約2.2kbのヒトOBMcDNAが挿入されたプラスミドを常法により精製した。

【0093】

(5) ヒトOBMの全アミノ酸配列をコードするcDNAの塩基配列の決定

実施例19-(4)で得られたヒトOBMcDNAの塩基配列を、タックダイデオキシターミネーターサイクルシーケンシングFSキット(パーキンエルマー社)を用いて決定した。即ち、pUC19hOBMを鋳型とし、挿入断片の塩基配列を決定した。プライマーとして、pUC19の挿入断片DNAの塩基配列を決定するためのプライマー、m13PrimerM3及びm13PrimerRV(ともに宝酒造社)、及びヒトOBMcDNA断片(約690bp)の塩基配列に基づいて設計した合成プライマーヒトOBM#8を用いた。用いたプライマー、m13PrimerM3及びm13PrimerRVの配列を、それぞれ配列表配列番号4及び5に示す。これにより決定された、ヒトOBMcDNAの塩基配列から推定されるヒトOBMのアミノ酸配列を配列表配列番号11、又、ヒトOBMcDNAの塩基配列を配列表配列番号12にそれぞれ示す。

得られたヒトOBMcDNAを含むプラスミド、pUC19hOBMで形質転換した大腸菌は、通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所(現独立行政法人産業技術総合研究所微生物寄託センター)に受託番号FERM BP-6058として平成9年8月13日に寄託されている。

【0094】

〔実施例20〕

OCIFの<sup>125</sup>I標識ならびにELISAによる<sup>125</sup>I標識OCIFの定量

OCIFはヨードジェン(Iodogen)法により<sup>125</sup>I標識した。2.5mg/ml Iodogen-クロロホルム溶液20μlを1.5mlエッペンドルフチューブに移し、40℃でクロロホルムを蒸発させて、ヨードジェンコートしたチューブを調製した。このチューブを0.5Mリン酸ナトリウム緩衝液(Na-Pi, pH7.0)400μlで3回洗浄した後、5μlの0.5M Na-Pi, pH 7.0を加えた。このチューブにNa-<sup>125</sup>I溶液(アマシャム社、NEZ-033H) 1.3 μl (18.5MBq)を加えた後、直ちに1mg/ml OCIF溶液(モノマー型あるいはダイマー型)10μlを加え、ボルテックスミキサーで攪拌した後、室温で30秒間放置した。この溶液を、予め10 mg/ml沃化カリウムを含む0.5MNa-Pi(

10

20

30

40

50

pH7.0)溶液80 $\mu$ lと5%牛血清アルブミンを含むリン酸緩衝生理食塩水(BSA-PBS)5 $\mu$ lを添加しておいたチューブに移し攪拌した。この溶液をBSA-PBSで平衡化したスピンカラム(1ml, G-25 Sephadex fine, ファルマシア社)に負荷し、2,000rpmで5分間遠心した。カラムから溶出された画分にBSA-PBSを400 $\mu$ l加え攪拌した後、2 $\mu$ lを取り、その放射能をガンマカウンターで測定した。このようにして調製した $^{125}$ I標識OCIF溶液の放射化学純度は10%トリクロロ酢酸(TCA)により沈殿する画分の放射能を測定することにより求めた。

$^{125}$ I標識OCIFのOCIF生物活性は、W096/26217号記載の方法に従い測定した。又、 $^{125}$ I標識OCIF濃度は、以下のようにELISAにより測定した。即ち、W096/26217号公報記載のウサギ抗OCIFポリクローナル抗体を2 $\mu$ g/mlになるように溶解した50mMNaHCO<sub>3</sub>, pH 9.6を100 $\mu$ lずつ96ウェルイムノプレート(Nunc社、MaxiSorp<sup>T M</sup>)の各ウェルに加えて、4 一夜放置した。この溶液を捨てた後、ブロックエース(雪印乳業社)とリン酸塩緩衝生理食塩水との混合水溶液(混合比25:75)(B-PBS)を200 $\mu$ lずつ各ウェルに加え、室温で2時間放置した。この液を捨てた後、各ウェルを0.01% Polysorbate 80 を含むリン酸塩緩衝生理食塩水(P-PBS)で3回洗浄し、次いで $^{125}$ I標識OCIFサンプルあるいはOCIF標準品を添加したB-PBSを100 $\mu$ lずつ各ウェルに加え、室温で2時間放置した。この液を捨てた後、P-PBS200 $\mu$ lで各ウェルを6回洗浄した。パーオキシダーゼ標識したウサギ抗OCIFポリクローナル抗体をB-PBSで希釈した溶液を100 $\mu$ lずつ各ウェルに加え、室温で2時間放置した。この溶液を捨てた後、P-PBS200 $\mu$ lで各ウェルを6回洗浄した。TMB溶液(TMB Soluble Reagent, High Sensitivity, Scytek社)を100 $\mu$ lずつ各ウェルに加え、室温で2~3分間放置した後、停止液(Stopping Reagent, Scytek社)を100 $\mu$ lずつ各ウェルに加えた。各ウェルの450 nmにおける吸光度をマイクロプレートリーダーで測定した。OCIF標準品を用いて作成した検量線より $^{125}$ I標識OCIFの濃度を求めた。

【0095】

〔実施例21〕

本発明cDNAにコードされる蛋白質の発現

#### (1)動物細胞用hOBM発現ベクターの構築

pUChOBMを制限酵素SalIで切断し、約2.2 kbのDNA断片を1%アガロース電気泳動により精製し、DNAブランチングキット(宝酒造社)により末端を平滑化した(平滑化 hOBMcDNA断片)。発現プラスミドpcDL-SR 296 (Molecular and Cellular Biology, Vol 8, pp466-472(1988))を制限酵素EcoRIで切断し、ブランチングキットにより末端を平滑化したものと、平滑化したhOBMcDNA断片とをDNAライゲーションキットver.2により結合させた。ライゲーション反応液を用い大腸菌DH5 $\alpha$ を形質転換した。得られたアンピシリン耐性形質転換株から、制限酵素切断により得られるDNA断片地図の解析並びにDNA配列の決定により、SRプロモーターによる転写方向に対してhOBMcDNAの転写方向が順向きに挿入されているプラスミド、phOBMを持つ菌株を選びだし、DH5 $\alpha$ /phOBMと名付けた。

【0096】

#### (2)COS-7細胞でのヒトOBMの発現

大腸菌、DH5 $\alpha$ /phOBMを培養し、キアフィルタープラスミドミディキット(キアゲン社)を用い、プラスミドphOBMを精製した。phOBMを6ウェルプレートの各ウェル中でCOS-7細胞にリポフェクトアミンを用いてトランスフェクションし、10%牛胎児血清を含むDMEM中で2日間培養した。5%透析牛胎児血清を添加した、システイン・メチオニン不含DMEM(大日本製薬社)に培地交換し(88 $\mu$ l/well)15分間培養した後、ExpressProtein Labelng Mix (NEN社、10 mCi/ml)を14 $\mu$ l添加した。4時間培養後、10%牛胎児血清を含むDMEMを200 $\mu$ l加え1時間培養した。細胞をPBSで2回洗浄後、1%TritonX-100、1%牛ヘモグロビン、10 $\mu$ g/mlロイペプチン(leupeptin)、0.2 TIU/mlアプロチニン(aprotinin)及び1mM PMSFを含むTSAバッファー(0.14M NaCl、0.025% Na<sub>3</sub>を含む10mMトリス塩酸、pH 8.0)を0.5ml加え、氷上で1時間静置した。ピペッティングにより細胞を破碎した後、4、3,000 $\times$ g、10分間遠心し上清を得た。この上清100 $\mu$ lに200 $\mu$ lの希釈バッファー(0.1% TritonX-100、0.1%牛ヘモグロビン、10 $\mu$ g/mlロイペプチン、0.2TIU/mlアプロチニン及び1mM PMSFを含むTSAバッファー)を加え、Protein A Sepharose (50 $\mu$ l)とともに4 で1時間振盪させた後

、4、1,500×gで1分間遠心分離し上清を回収することにより：Protein A Sepharose に非特異的に吸着する蛋白質を除去した。この上清にOCIF (1μg)を加え、4で1時間振盪させながらヒトOBMとOCIFを結合させた後、ウサギ抗OCIFポリクローナル抗体 (50μg)を加えて4で1時間振盪した。この溶液にProtein A Sepharose (10μl)を加え、更に4で1時間振盪した。4、1,500×gで1分間遠心分離し沈殿画分を回収した。4、1,500×gで1分間遠心分離して得られた沈殿を希釈バッファーで2回、牛ヘモグロビンを含まない希釈バッファーで2回、TSAバッファーで1回、50mMトリス 塩酸(pH 6.5)で1回、それぞれ洗浄後、沈殿に10%メルカプトエタノールを含むSDS バッファー(0.125M トリス 塩酸、4%ドデシル硫酸ナトリウム、20%グリセロール、0.002%プロモフェノールブルー、pH6.8)を加え、100で5分間加熱後、SDS-PAGE (12.5%ポリアクリルアミドゲル、第一化学社)にかけた。常法によりゲルを固定、乾燥させ、Amplify(アマシャム社)により、アイソトープのシグナルを増強した後、Bio Max MRフィルム(コダック社)を用いて80で感光させた。結果を図18に示す。この結果、本発明のcDNAにコードされる蛋白質の分子量は、約40,000であることが明らかとなった。

【0097】

〔実施例22〕

本発明cDNAにコードされる蛋白質とOCIFとの結合

実施例21-(2)と同様に精製されたphOBMを24ウェルプレートの各ウェル中でCOS-7細胞にリポフェクトアミンを用いてトランスフェクトし、その細胞を2~3日間培養した後、無血清DMEMで洗浄し、これに<sup>125</sup>I標識したOCIF 20 ng/mlを加えた結合試験培地 (0.2%牛血清アルブミン、20mM HEPES緩衝液、0.1mg/mlヘパリン、0.2% NaN<sub>3</sub>を加えた無血清DMEM)200μlを加えた。また別のウェルには、<sup>125</sup>I標識したOCIF 20 ng/mlに加えて更に8μg/mlの非標識OCIFを添加した結合試験培地を200μl加えて実験を行った。CO<sub>2</sub>インキュベーター中(5% CO<sub>2</sub>)、37で1時間培養した後、細胞を0.1mg/mlのヘパリンを含むリン酸塩緩衝生理食塩水500μlで2回洗浄した。洗浄後、0.1N NaOH 溶液 500μlを各ウェルに加え、室温に10分間放置することにより細胞を溶解させ、ウェル中の<sup>125</sup>Iの量をガンマカウンターで測定した。この結果、図19に示したように、phOBMをトランスフェクトした細胞にのみ<sup>125</sup>I標識したOCIFが結合することが確認された。又、その結合は400倍濃度の非標識OCIF (8μg/ml)を添加することにより、顕著に阻害されることが確認された。以上の結果から、phOBM上のcDNAにコードされる蛋白質ヒトOBMは、COS-7細胞表面でOCIFに特異的に結合することが明らかとなった。

【0098】

〔実施例23〕

<sup>125</sup>I標識したOCIFと本発明cDNAにコードされる蛋白質とのクロスリンクング試験

本発明cDNAにコードされる蛋白質の性質を更に詳しく解析するため、<sup>125</sup>I標識したモノマー型OCIFと本発明cDNAにコードされる蛋白質とのクロスリンクングを行った。即ち、実施例21-(1)及び(2)に記載した方法に従って、それぞれ発現ベクターをphOBMを構築し、COS-7細胞にトランスフェクトした後、上記の<sup>125</sup>I標識したOCIF (25ng/ml)を加えた結合試験用培地を200μlずつ各ウェルに添加した。又、別のウェルには、<sup>125</sup>I標識したOCIFに加え400倍濃度の非標識OCIFを更に添加した結合試験用培地を加えた。CO<sub>2</sub>インキュベーター中(5% CO<sub>2</sub>)、37で1時間培養した後、細胞を0.1mg/mlのヘパリンを含むリン酸塩緩衝生理食塩水500μlで2回洗浄した。この細胞に100μg/mlのクロスリンクング剤、DSS (Disuccinimidyl suberate, Pierce社)を溶解させたリン酸塩緩衝生理食塩水 500μlを加え、0で10分間反応させた。これらのウェルの細胞を0に冷却したリン酸塩緩衝生理食塩水1mlで2回洗浄した後、この細胞に1%Triton X-100(和光純薬社)、2 mM PMSF(phenylmethylsulfonyl fluoride、シグマ社)、10μM ペプスタチン (和光純薬社)、10μMロイペプチン (和光純薬社)、10μM アンチパイン (antipain, 和光純薬社)及び2 mM EDTA (和光純薬社)を含む20 mM HEPES 緩衝液100μlを加え、室温に30分間放置して細胞を溶解させた。これらのサンプル15μlを常法により還元条件下でSDS化した後、SDS-電気泳動用ゲル(4-20%ポリアクリルアミドグラジエント、第一化学社)を用いて泳動した。泳動後、ゲル

を乾燥させ、Bio MAX MS フィルム(コダック社)とBioMax MS 増感スクリーン(コダック社)を用いて 80 で24時間感光させた。感光させたフィルムを常法により現像した。この結果、<sup>125</sup>I標識モノマー型OCIFと本発明cDNAによりコードされる蛋白質をクロスリンクさせることにより、図20に示すように、分子量約90,000 110,000の蛋白質バンドが検出された。

【0099】

〔実施例24〕

#### 分泌型ヒトOBM の発現

##### (1) 分泌型ヒトOBM 発現プラスミドの構築

ヒトOBM SF (配列表配列番号13) とマウスOBM #8(配列表配列番号6)をプライマー、pUC19 hOBM を鋳型としてPCR 反応を行った。この生成物をアガロースゲル電気泳動で精製した後、制限酵素S<sub>ph</sub>I、HindIIIで切断し、さらにアガロースゲル電気泳動で精製して、0.27kbの断片を得た。ヒトOBM cDNAを制限酵素DraIで部分消化し、一ヶ所切断された断片をアガロース電気泳動で精製し、その精製断片をさらに制限酵素HindIIIで切断した。0.53kbのDraI/HindIII断片をアガロース電気泳動で精製し、この精製断片と上記のPCR生成物のS<sub>ph</sub>I、HindIII断片(0.27 kb)をpSec Tag A(インビトロゲン社)のS<sub>ph</sub>I/EcoRV断片(5.2 kb)と共にライゲーションキットver.2(宝酒造社)を用いてライゲーションを行い、その反応生成物を用いて大腸菌DH5 を形質転換した。得られたアンピシリン耐性株より、アルカリSDS法によりプラスミドを精製し、制限酵素で切断することによって、pSec Tag Aに0.27 kbと0.53 kbの断片が挿入されたプラスミドを選び出した。さらに、このプラスミドをタックダイデオキシターミネーターサイクルシーケンシングFSキット(パーキンエルマー社)を用いてシーケンスを行い、このプラスミドが分泌型ヒトOBMをコードする配列を持っていることを確認した。

このプラスミドを制限酵素NheI、XhoIで切断した後、分泌型ヒトOBM cDNAに相当する断片(0.8kb)をアガロースゲル電気泳動で回収した。この断片をライゲーションキットを用いて発現ベクターpCEP4(インビトロゲン社)のNheI/XhoI断片(10.4kb)に挿入し、その反応生成物を用いて大腸菌DH5 を形質転換した。得られたアンピシリン耐性株より、アルカリSDS法によりプラスミドを精製し、制限酵素で切断することにより、目的の構造を持った分泌型ヒトOBM発現プラスミド(pCEPshOBM)を持つ大腸菌株を選択した。pCEPshOBMを持つ大腸菌株を培養し、キアフィルタープラスミドミディキット(キアゲン社)を用いてpCEPshOBMを精製した。

【0100】

##### (2) 分泌型OBMの発現

293-EBNA細胞を10%FCSを含むIMDM (IMDM-10% FCS) に懸濁し、コラーゲンコートした24ウェルプレート(住友ベークライト社)に $2 \times 10^5$  細胞/2ml/ウェルになるように播種し、一夜培養した。この細胞に1 $\mu$ g のpCEPshOBM 及びpCEP4 のそれぞれをリポフェクトアミン(ギブコ社) 4 $\mu$ lを用いて形質導入し、0.5mlの無血清IMDMまたはIMDM-10% FCS中で更に2日間培養し、その培養上清を回収した。分泌型ヒトOBMの培養上清中での発現は、以下のようにして確認した。即ち、培養上清に最終濃度が0.1Mになるように炭酸水素ナトリウムを加えて4 で一夜放置し、培養上清中のヒトOBMを96ウェルプレートに固相化した。このプレートをPBSで4倍希釈したブロックエース(雪印乳業社) 溶液(B-PBS)で室温に2時間放置しブロッキングした後、B-PBSで希釈した3-100 ng/mlのOCIFを加えて37 で2時間放置した。0.05%Polysorbate 20 を含むPBS (P-PBS)でプレートを洗浄した後、B-PBSで希釈したW096/26217号記載のパーオキシダーゼ標識抗OCIF抗体を各ウェルに100 $\mu$ lずつ添加し、37 で2時間放置した。P-PBSで各ウェルを6回洗浄した後、TMB溶液(TMB Soluble Reagent, High Sensitivity, Scytek社)を100 $\mu$ lずつ各ウェルに加え、室温で約10分間放置した後、停止液(Stopping Reagent, Scytek社)を100 $\mu$ lずつ各ウェルに加えた。各ウェルの450nmにおける吸光度をマイクロプレートリーダーで測定した。結果を図21に示す。pCEPshOBMを形質導入した細胞の培養上清を固相化したプレートでは、添加したOCIFの濃度に依存して450nmの吸光度が増加した。一方、ベクターのみのpCEP4を形質導入した細胞の培養上

清を固相化した場合には、その吸光度の増加は見られなかった。又、固相化に用いる培養上清量の割合を5~90%の範囲で種々変化させ、一定濃度のOCIF(50ng/ml)を添加した際の結果を図22に示す。pCEPshOBMを形質導入した細胞の培養上清を固相化したプレートでは、添加する培養上清量の増加につれて450nmにおける吸光度が増加したが、ベクターpCEP4を形質導入した細胞の培養上清を固相化したプレートでは、吸光度の増加は見られなかった。これらの結果により、分泌型ヒトOBMがpCEPshOBMを形質導入した細胞の培養上清中に発現していることが確認された。

#### 【0101】

〔実施例25〕

#### チオレドキシン-ヒトOBM融合蛋白質(Trx-hOBM)の発現

10

##### (1)チオレドキシン-ヒトOBM融合蛋白質(Trx-hOBM)発現ベクターの構築

10  $\mu$ lの10x ExTaqバッファ-(宝酒造社)、8  $\mu$ lの10mM dNTP (宝酒造社)、77.5  $\mu$ lの滅菌蒸留水、2  $\mu$ lのpUC19hOBM水溶液(10ng/ $\mu$ l)、1  $\mu$ lのプライマーマウスOBM #3(配列表配列番号9)(100pmol/ $\mu$ l)、1  $\mu$ lのプライマーhOBM SaIR2(配列表配列番号14)(100pmol/ $\mu$ l)、0.5  $\mu$ lのExTaq(5u/ $\mu$ l)(宝酒造社)を混合しマイクロ遠心管中でPCR反応を行った。95 5分、50 1秒、55 1分、74 1秒、72 5分の反応後、96 1分、50 1秒、55 1分、74 1秒、72 3分の反応を25サイクル行った。反応液全量から約750bpのDNA断片を精製した。精製したDNA断片(全量)を制限酵素SalI(宝酒造社)及びBspHI(ニューイングランドバイラズ社)で切断した後、1%アガロース電気泳動を行い、約320bpのDNA断片(断片1)を精製し20  $\mu$ lの滅菌蒸留水に溶解した。同様に、実施例19-(3)記載のpUC19hOBM4  $\mu$ gを制限酵素BamHI, BspHI(宝酒造社)で切断して得られた約450bpのDNA断片(断片2)、及び2  $\mu$ gのpTrxFus(インビトロジェン社)を制限酵素BamHI, SalI(宝酒造社)で切断して得られた約3.6 kbのDNA断片(断片3)をそれぞれ精製し、それぞれを20  $\mu$ lの滅菌蒸留水に溶解した。DNA断片の精製にはQIAEXII gel extraction kitを用いた。断片1、断片2、及び断片3をDNA ligation kit ver.2(宝酒造社)を用い、16  $^{\circ}$ Cで2時間30分保温することにより結合させた。ライゲーション反応液を用い大腸菌GI724株(インビトロジェン社)をThioFusion Expression System(インビトロジェン社)添付のInstruction Manualに記載の方法で形質転換した。得られたアンピシリン耐性形質転換株の中から、制限酵素切断により得られるDNA断片地図の解析並びにDNA配列の決定により、hOBM cDNA断片がチオレドキシン遺伝子と同じ読み枠で結合しているプラスミドを持つ菌株を選択した。得られた菌株をGI724/pTrxhOBMと名付けた。

20

30

#### 【0102】

##### (2)大腸菌でのTrx-hOBMの発現

GI724/pTrxhOBM株及びpTrxFusを持つGI724株(GI724/pTrxFus)をそれぞれ2mlのRMG Amp培地(0.6% Na<sub>2</sub> HPO<sub>4</sub>、0.3% KH<sub>2</sub> PO<sub>4</sub>、0.05% NaCl、0.1% NH<sub>4</sub> Cl、2% カザミノ酸、1% グリセロール、1mM MgCl<sub>2</sub>、100  $\mu$ g/mlアンピシリン、pH 7.4)中、37  $^{\circ}$ Cで6時間振盪培養した。菌液0.5mlを50mlのInduction培地(0.6% Na<sub>2</sub> HPO<sub>4</sub>、0.3% KH<sub>2</sub> PO<sub>4</sub>、0.05% NaCl、0.1% NH<sub>4</sub> Cl、0.2%カザミノ酸、0.5%グルコース、1mM MgCl<sub>2</sub>、100  $\mu$ g/mlアンピシリン、pH7.4)に添加し、30  $^{\circ}$ Cで振盪培養した。OD<sub>600nm</sub>における値が約0.5になった時点で、最終濃度が0.1mg/mlになるようにレトリプトファンを添加し、更に30  $^{\circ}$ Cで6時間振盪培養した。菌液を3,000 x gで遠心し菌体を集め、12.5 mlのPBSに懸濁した。懸濁液を超音波発生装置(Ultrasonics社)にかけ菌体を破碎し、7,000 x gで30分間遠心して上清を集めて可溶性蛋白質画分とした。これらの画分溶液10  $\mu$ lずつを還元条件下でのSDS-PAGE(10%ポリアクリルアミド)に供した。この結果、図23に示すように、GI724/pTrxOBMの可溶性蛋白質画分には、GI724/pTrxFusの可溶性蛋白質画分には見られない分子量約40,000の蛋白質のバンドが検出された。以上の結果から、チオレドキシンとヒトOBMの融合蛋白質(Trx-hOBM)が大腸菌中で発現していることが確認された。

40

#### 【0103】

##### (3) Trx-hOBMのOCIFとの結合能

発現させたTrx-hOBMがOCIFと結合することを、以下の実験により確認した。即ち、96ウェ

50

ルイムノプレート(Nunc社)の各ウェルに10mM 炭酸水素ナトリウム水溶液で5000倍に希釈した抗チオレドキシン抗体(インビトロジェン社)を100 $\mu$ lずつ添加し4 $^{\circ}$ Cで一晩放置した。各ウェル中の液を捨てた後、ブロックエース(雪印乳業社)をPBSで2倍希釈した溶液(BA-PBS)を各ウェルに200 $\mu$ lずつ添加し室温で1時間放置した。液を捨てた後、各ウェルをP-PBSで3回洗浄した。各ウェルにBA-PBSで段階希釈した上記GI724/pTrxh0BM由来及びGI724/pTrxFus由来可溶性蛋白質画分溶液を100 $\mu$ lずつ添加し室温で2時間放置した。P-PBSで各ウェルを3回洗浄した後、BA-PBSで希釈したOCIF(100ng/ml)を各ウェルに100 $\mu$ lずつ添加し室温で2時間放置した。P-PBSで各ウェルを3回洗浄した後、BA-PBSで2000倍に希釈したW096/26217号記載のパーオキシダーゼ標識した抗OCIF抗体を各ウェルに100 $\mu$ lずつ添加し、室温で2時間放置した。P-PBSで各ウェルを6回洗浄した後、TMB溶液を100 $\mu$ lずつ各ウェルに加え、室温で約10分間放置した後、停止液(Stopping Reagent)を100 $\mu$ lずつ各ウェルに加えた。各ウェルの450 nmにおける吸光度をマイクロプレートリーダーで測定した。結果を図24に示す。GI724/pTrxFus由来可溶性蛋白質画分溶液を添加したもの、添加しなかったもの間で吸光度には差異は見られなかったが、GI724/pTrxh0BM由来可溶性蛋白質画分溶液を添加したものでは、その添加濃度が増加するにつれて吸光度が上昇した。又、添加する可溶性蛋白質画分溶液の希釈割合を一定(1%濃度)にし、BA-PBSで段階希釈したOCIF(0-100ng/ml)を添加した場合の実験結果を図25に示す。GI724/pTrxFus由来可溶性蛋白質画分溶液を用いたものでは、OCIFの濃度に係わりなく吸光度は低値であったが、GI724/pTrxh0BM由来可溶性蛋白質画分溶液を添加したものでは、OCIF濃度が増加するにつれて吸光度が増加した。これらの結果から、GI724/pTrxh0BMで生産されるTrx-h0BMには、OCIFと結合する能力があることが確認された。

10

20

#### 【0104】

##### (4) Trx-h0BMを生産する大腸菌の大量培養

GI724/pTrxh0BMをRMG-Amp 寒天培地(0.6%Na<sub>2</sub>HPO<sub>4</sub>、0.3%KH<sub>2</sub>PO<sub>4</sub>、0.05%NaCl、0.1%NH<sub>4</sub>Cl、2%カザミノ酸、1.5%寒天、pH 7.4)に白金耳で塗抹し、30 $^{\circ}$ Cで一晩培養した。菌体を10mlのInduction培地に懸濁し、5mlずつを500mlのInduction培地の入った2l用三角フラスコ計2本に添加し、30 $^{\circ}$ Cで振盪培養した。OD<sub>600nm</sub>での吸光度が約0.5になった時点で最終濃度が0.1mg/mlとなるようにL-トリプトファンを添加し、更に30 $^{\circ}$ Cで6時間振盪培養した。菌液を3,000 $\times$ gで20分間遠心分離して菌体を集め、菌体を160mlのPBSに懸濁した。懸濁液を超音波発生装置(Ultrasonics社)にかけ菌体を破碎し、7,000 $\times$ gで30分間遠心分離して上清を集め可溶性蛋白質画分とした。

30

#### 【0105】

##### (5) OCIF固定化アフィニティーカラムの調製

TSKgel AF-トレシルトヨパール650(東ソー社)2gと、W096/26217号公報記載の方法で調製した遺伝子組み換え型OCIF35.0mgを含む1.0Mリン酸カリウム緩衝液(pH 7.5)40mlとを混合し、4 $^{\circ}$ Cで一晩緩やかに振盪することによりカップリング反応を行った。過剰な活性基を不活性化するため、遠心分離により上清を除去した後、40mlの0.1Mトリス塩酸緩衝液(pH 7.5)を沈殿した担体に加え、室温で1時間穏やかに振盪した。0.01%Polysorbate 80と0.2M NaClを含む0.1Mグリシン塩酸緩衝液(pH 3.3)及び0.01%Polysorbate 80と0.2M NaClを含む0.1Mクエン酸ナトリウム緩衝液(pH 2.0)を通液しカラムを洗浄した後、0.01%Polysorbate 80を含む10mMリン酸ナトリウム緩衝液(pH 7.4)で2回洗浄し、カラムを平衡化した。

40

#### 【0106】

##### (6) OCIF固定化アフィニティーカラムによるTrx-h0BMの精製

Trx-h0BMの精製は、特に断らない限り4 $^{\circ}$ Cで行った。上記のOCIF固定化アフィニティー担体(10ml)と上記実施例25-(4)記載の可溶性蛋白質画分溶液(120ml)とを混合後、50ml遠心管(4本)中で、ローテーターを用いて4 $^{\circ}$ Cで一晩穏やかに振盪した。この混合液中の担体をエコノカラム(内径1.5cm $\times$ 長さ15cm、バイオラッド社)に充填した。0.01%Polysorbate 80を含むPBS 300ml、0.01%Polysorbate 80及び2.0M NaClを含む10mMリン酸緩衝液(pH 7.0)100ml、0.01%Polysorbate 80及び0.2M NaClを含む0.1Mグリシン塩酸緩衝

50



のみを染色した。顕微鏡観察の結果、Trx-hOBMを添加しなかったウェル中にはTRAP活性を示す細胞は全く検出されなかったのに対し、Trx-hOBMを添加したウェルには $115 \pm 19$ 個 ( $n=3$ 、平均値  $\pm$  標準偏差)のTRAP陽性細胞が観察された。同様に、pCEP4で形質導入された293-EBNAの培養上清を添加したウェル中にはTRAP活性を示す細胞は全く検出されなかったのに対し、pCEPshOBMで形質導入された293-EBNAの培養上清を添加したウェルには $125 \pm 23$ 個 ( $n=3$ 、平均値  $\pm$  標準偏差)のTRAP陽性細胞が観察された。又、これらTRAP陽性細胞は<sup>125</sup>I標識したサケカルシトニン(アマシャム社)と特異的結合を示しことから、カルシトニンレセプターを発現していることが確認された。これらの結果から、Trx-hOBM及び分泌型OBMには、破骨細胞形成を誘導する活性があることが明らかとなった。

【 0 1 1 0 】

〔実施例28〕

#### ポリクローナル抗体の作製

免疫抗原として用いるマウスsOBM又はヒトsOBMは、前記の方法に従って得た。即ち、マウスsOBM cDNA (マウスOBMのN末端から72番目までのアミノ酸を欠損させた膜結合部位を持たないマウスsOBM(配列表配列番号16)をコードするcDNA、配列表配列番号18)又はヒトOBM cDNA(ヒトOBMのN末端から71番目までのアミノ酸を欠損させた膜結合部位を持たないヒトsOBM(配列表配列番号17)をコードするcDNA、配列表配列番号19)を、イムノグロブリンの -チェーンのシグナルペプチドをコードする塩基配列を含む発現ベクターpSecTagA(インビトロゲン社)のHindIII/EcoRV断片(5.2kb)と、OBMcDNAのEcoRI/PmaCI断片(0.32kb)とともにライゲーションキットver.2(宝酒造社)を用いてライゲーションを行い、その反応生成物を用いて大腸菌DH5 を形質転換した。得られたアンピシリン耐性株からアルカリSDS法によりプラスミドを精製し、制限酵素で切断することによりpSec TagAに0.6Kbと0.32 Kbの断片が挿入されたプラスミドを選び出した。このプラスミドをダイターミネーターサイクルシーケンシングFSキット(パーキン-エルマー社)を用いてシーケンスを確認した結果、このプラスミドがマウス又はヒトsOBMをコードする配列を有することを確認した。このプラスミドを制限酵素NheI、XhoIで切断した後、分泌型OBM cDNAに相当する断片(1.0kb)をアガロースゲル電気泳動で回収した。この断片をライゲーションキットを用いて発現ベクターpCEP4(インビトロゲン社)のNheI/XhoI断片(10.4kb)に挿入し、その反応生成物を用いて大腸菌DH5 を形質転換した。得られたアンピシリン耐性株からアルカリSDS法によりプラスミドを精製し、制限酵素で切断して解析することにより、目的の構造を持った分泌型OBM発現プラスミド(pCEP sOBM)を持つ大腸菌株を選び出した。pCEP sOBMを持つ大腸菌株を培養し、キアフィルタープラスミドミディキット(キアゲン社)を用いてpCEP sOBMを精製した。次に、293-EBNA細胞を10%FCSを含むIMDM(IMDM-10%FCS)に懸濁し、コラーゲンコートした24ウェルプレート(住友ベークライト社)に $2 \times 10^5$ 個/2ml/ウェルになるように播種し、一夜培養した。この細胞に $1 \mu\text{g}$ のpCEP sOBM又はpCEP4をリポフェタミン(ギブコ社) $4 \mu\text{l}$ を用いて形質導入し、0.5mlの無血清IMDM又はIMDM-10%FCS中でさらに2日間培養し、その培養上清を回収した。遺伝子組み換えマウス可溶性OBM(msOBM)あるいはヒト可溶性OBM(hsOBM)の高生産細胞株を以下のようにスクリーニングした。msOBMあるいはhsOBMを含むと見られる培養上清に最終濃度が0.1Mになるように炭酸水素ナトリウムを添加後、それぞれの培養上清を $100 \mu\text{l}$ ずつ96ウェルイムノプレート(Nunc社)の各ウェルに添加し、4 で一夜放置して培養上清中のmsOBMあるいはhsOBMを各ウェルに固相化した。このプレートの各ウェルにPBSで4倍希釈したブロックエース(雪印乳業社)溶液(B-PBS)を $200 \mu\text{l}$ 加え、室温で2時間放置した。0.1%polysprbate20を含むPBS(P-PBS)で3回洗浄後、B-PBSで段階的に希釈した遺伝子組み換えOCIF(rOCIF)溶液(3~100ng/ml)を $100 \mu\text{l}$ ずつ各ウェルに添加し、37 で2時間放置した。そのプレートをPBSで3回洗浄した後、B-PBSで希釈したパーオキシダーゼ標識抗OCIFポリクローナル抗体(W096/26217号)を $100 \mu\text{l}$ ずつ各ウェルに添加し、37 で2時間放置した。P-PBSで各ウェルを6回洗浄後、TMB溶液(TMB Soluble Agent, Highsensitivity, Scytek社)を $100 \mu\text{l}$ ずつ各ウェルに加え、室温で約10分間放置した後、停止液(Stopping Reagent, Scytek社)を $100 \mu\text{l}$ ずつ各ウェルに加えた。各ウェルの450nmにおける吸光度をマイクロプレートリーダーで測定した。msOBMあるいはhsOBMの生産

10

20

30

40

50

細胞株の培養上清を固相化したプレートでは、OCIFの添加濃度に比例して、吸光度が顕著に増加した。msOBMあるいはhsOBMの生産細胞株について、その吸光度の増加の割合の高い生産株を、それぞれ高生産株として選択した。このように選択されたmsOBMあるいはhsOBM高生産293-EBNA細胞をそれぞれ5%FCSを含有する1MDMを培地として用い、T-フラスコ(T-225)を25枚用いて大量培養した。コンフルエントに達した後、新鮮な培地をT-225フラスコ1枚当たり100mlずつ加え、3~4日間培養して、培養上清を回収した。この操作を4回繰り返して、msOBMあるいはhsOBMを含む培養上清をそれぞれ10リットル得た。実施例25-(6)及び(7)記載の方法に従いrOCIF固定化カラムを用いたアフィニティークロマトグラフィーおよびゲル濾過クロマトグラフィーにより精製することにより、これら培養上清からSDS-ポリアクリルアミド電気泳動的に均一(分子量32kDa)な精製msOBM及びhsOBMをそれぞれ約10mg及び12mg得た。このようにして得られた精製標品を、それぞれ免疫抗原として用いた。得られた各抗原を、リン酸塩緩衝生理食塩水(PBS)に200 µg/mlになるように溶解し、等容量のフロイント完全アジュバントと混合し乳化後、日本白色ウサギ各3羽に約1週間間隔で1mlを皮下投与し免疫した。抗体価を測定し、抗体価が最高に到達した時点で、ブースター投与し、投与10日後に全採血した。抗血清をプロテインAセファロースクロマトグラフィー用バインディングバッファー(BioRad社)で2倍希釈し、同バッファーで平衡化したプロテインAカラムに負荷した。同バッファーでカラムを充分洗浄後、カラムに吸着した抗sOBM抗体をエルーションバッファー(BioRad社)あるいは0.1Mグリシン-HClバッファー、pH2.9-3.0で溶出した。抗体溶出液を直ちに中和する目的で、1.0MTris-HCl,pH8.0を少量含む試験管を用いて溶出溶液を分画した。抗体溶出液をPBSに対して4、一夜透析した。抗体溶液の蛋白量をウシIgGをスタンダードとしてLowry法により測定した。このようにして、本発明のポリクローナル抗体を含む精製イムノグロブリン(IgG)が、ウサギ抗血清1ml当たり約10mg得られた。

【0111】

〔実施例29〕

ポリクローナル抗体を用いたELISAによるOBM及びsOBMの測定

実施例28で得られたウサギ抗ヒトsOBMポリクローナル抗体を、固相抗体及び酵素標識抗体としたサンドイッチELISAを構築した。酵素標識は、石川らの方法(Ishikawa et al.:J. Immunology assay, Vol.4, 209-327, 1983)に従いパーオキシダーゼ(POD)標識した。実施例28で得られた抗ヒトsOBMポリクローナル抗体を2 µg/mlとなるように0.1M NaHCO<sub>3</sub>溶液に溶解し、96-ウェルイムノプレート(Nunc社)の各ウェルに100 µlずつ添加、室温で一夜放置した。次いで、各ウェルに200 µlずつ50%ブロッカー(雪印乳業社)を加え、室温で1時間放置し、各ウェルを0.1%polysorbate20を含むPBS(洗浄バッファー)で3回洗浄した。

実施例26の方法と同様にヒトOBMを発現し実施例2の方法で精製することにより得られた精製ヒトOBM、及び実施例28で得られた精製ヒトsOBMをそれぞれ一次反应用バッファー(40%ブロッカー、0.1%polysorbate20を含む0.2MTris-HClバッファー、pH7.2)で段階希釈した溶液を、100 µlずつ各ウェルに加えた。室温で2時間放置後、各ウェルを上記洗浄バッファーで3回洗浄した。

二次反应用バッファー(25%ブロッカー、0.1%polysorbate20を含む0.1MTris-HClバッファー、pH7.2)で1000倍希釈したPOD標識抗ヒトsOBMポリクローナル抗体を100 µlずつ各ウェルに加え、室温で2時間放置した後、各ウェルを3回洗浄バッファーで洗浄した。各ウェルに酵素基質溶液(TMB, ScyTek社)を100 µlずつ添加し、室温で10分間放置後、反応停止液(Stopping reagent, ScyTek社)を100 µlずつ各ウェルに加えて酵素反応を停止させた。各ウェルの450nmにおける吸光度をマイクロプレートリーダーを用いて測定した。結果を図26に示す。ウサギ抗ヒトsOBMポリクローナル抗体を用いたサンドイッチELISAは、ヒトsOBM(分子量約32kDa)及びヒトOBM(分子量約40kDa)をほぼ等しく認識し、それぞれの測定感度は約 $12.5 \times 10^{-3}$  pmol/ml(ヒトOBMで約500pg/ml、ヒトsOBMで約400pg/ml)であった。実施例28で得られたウサギ抗マウスsOBMポリクローナル抗体を用いたELISAによるマウスsOBM及びマウスOBMの測定は上記と同様に実施でき、それぞれの測定感度も同程度で極めて微量のマウスsOBMあるいはマウスOBMを測定できることが明らかとなった。

以上のように、実施例28で得られた本発明抗ヒトsOBMポリクローナル抗体は、ヒトsOBM及びヒトOBMの両抗原を等しく認識することから、抗ヒトOBM/sOBMポリクローナル抗体と名付けた。又、実施例28で得られた抗マウスsOBMポリクローナル抗体は、同様にマウスsOBM及びマウスOBMの両抗原を等しく認識することから、抗マウスOBM/sOBMポリクローナル抗体と名付けた。

#### 【0112】

〔実施例30〕

##### モノクローナル抗体の作製

免疫用抗原には、実施例28で得られた精製ヒトsOBMを用いた。精製ヒトsOBMを10 $\mu$ g/mlになるように生理食塩水に溶解した。このようにして調製したヒトsOBM溶液に、同容量のフロイント完全アジュバントを加え良く乳化した後、それぞれの抗原をBalb/cマウス一匹あたり腹腔内に200 $\mu$ lずつ1週間間隔で3回投与し、マウスを免疫した。次に、ヒトsOBMを5 $\mu$ g/ml含む生理食塩水に同容量のフロイント不完全アジュバントを添加し、充分乳化したものを上記Balb/cマウス一匹あたり200 $\mu$ lずつ、1週間間隔で4回追加免疫した。4回目の追加免疫の1週間後、ブースターとしてヒトsOBMを10 $\mu$ g/ml含む生理食塩水をBalb/cマウス1匹あたり100 $\mu$ lずつ静脈内に投与した。最終免疫後3日目に脾臓を摘出、脾臓細胞を分離し、マウスミエローマ細胞 P3x63-AG8.653とを公知の方法(Koehler, G. and Milstein, C., Nature, 256, 495(1975))に従い細胞融合した。融合終了後、細胞懸濁液をヒポキサンチン、アミノプテリン及びチミジンを含むHAT培地中で10日間培養した。ミエローマ細胞が死滅し、ハイブリドーマが出現した後、HAT培地からアミノプテリンを除いたHT培地に培地交換し、培養を継続した。

10

20

#### 【0113】

〔実施例31〕

##### ハイブリドーマの選択及びクローニング

実施例30の細胞融合及び培養を開始して10日後にハイブリドーマの出現を認めたので、下記に記載した改良ソリッドフェーズELISAにより、ヒトsOBMを認識する高親和性抗体及びその抗体を産生するハイブリドーマの選択を行った。又、ヒトsOBMとマウスsOBMの両方を認識する抗OBMモノクローナル抗体を選択するために、ソリッドフェーズELISA用抗原として、ヒトsOBM以外に実施例27で得られたマウスsOBMも使用した。ヒトsOBM及びマウスsOBMをそれぞれ5 $\mu$ g/mlになるように0.1M炭酸水素ナトリウム溶液に溶解し、それぞれの抗原溶液を50 $\mu$ lずつ96-ウェルイムノプレート(Nunc社)の各ウェルに加え、4 $^{\circ}$ Cで一晩静置しそれぞれの抗原を固相化した。各ウェル中の抗原溶液を捨て、各ウェルに50%ブロッケース(雪印乳業社)を200 $\mu$ lずつ加え、室温で1時間放置してブロッキングした。各ウェルを0.1%polysorbate20を含むリン酸塩緩衝生理食塩水(PBS-P)で洗浄し、各ウェルに40 $\mu$ lの牛血清(ハイクローン社)を加えた。次いで、各ウェルに10 $\mu$ lのハイブリドーマ培養上清を加え、80%血清濃度下、室温で2時間反応させた。80%血清存在下でのソリッドフェーズELISAの目的は、高濃度の蛋白質及び血清由来の免疫反応妨害物質等の存在中でも微量のヒトsOBMあるいはマウスsOBMと結合できる抗体、即ちヒトsOBMあるいはマウスsOBMに対して高親和性の抗体生産ハイブリドーマを選択するためである。室温で2時間反応後、プレートをPBS-Pで洗浄し、25%ブロッケースを含む生理食塩水で5000分の1に希釈したパーオキシダーゼ標識抗マウスIgG(KPL社)を各ウェルに50 $\mu$ l加え、室温で2時間反応させた。プレートをPBS-Pで3回洗浄した後、各ウェルに50 $\mu$ lの酵素基質溶液(TMB, ScyTek社)を加え、室温で5分間反応させた。次いで、反応停止液(stopping reagent, ScyTek社)50 $\mu$ lを加えて酵素反応を停止させた。各ウェルの450nmにおける吸光度をマイクロプレートリーダー(イムノリーダーNJ2000、日本インターメッド社)を用いて測定し、ヒトsOBMあるいはマウスsOBMを認識する抗体生産ハイブリドーマを選択した。特に高い吸光度(OD<sub>450nm</sub>)を示すそれぞれの抗体生産ハイブリドーマを選択し、それらを限界希釈法により3~5回クローニングを繰り返すことにより、安定な抗体生産ハイブリドーマを樹立した。得られた抗体生産株の中から、さらに抗体の生産性が高いハイブリドーマ株を選別した。

30

40

#### 【0114】

50

〔実施例32〕

モノクローナル抗体の生産及び精製

実施例31で得られた抗体、即ち高親和性でヒトsOBMを認識する抗体生産ハイブリドーマ及びマウスsOBMにも交差性を有する抗体を産生するハイブリドーマをそれぞれ培養し、マウス一匹当たりそれぞれのハイブリドーマを $1 \times 10^6$ 細胞ずつ、約1週間前にプリスタン(アルドリッチケミカル社)を投与しておいたBalb/c系マウスの腹腔内に移植した。約2~3週間後、蓄積した腹水を採取し、本発明のヒトsOBMあるいはヒトsOBM及びマウスsOBMを認識するモノクローナル抗体を含む腹水を得た。実施例28に記載したプロテインAカラムによる抗OBM/sOBMポリクローナル抗体の精製法に準じて、プロテインAカラム(ファルマシア社)クロマトグラフィーにより腹水から精製モノクローナル抗体を得た。

10

【0115】

〔実施例33〕

モノクローナル抗体の抗原特異性

ヒトsOBMを特異的に認識するモノクローナル抗体並びにヒトsOBM及びマウスsOBMにも交差性を有するモノクローナル抗体について、ヒトsOBM、膜結合部位を有するintactなヒトOBM、マウスsOBM、及び膜結合部位を有するintactなマウスOBMを抗原とした時の抗原特異性について調べた。30数種類のモノクローナル抗体を得たが、それらのうち代表的なモノクローナル抗体についての結果を第1表に示す。この結果、ヒトsOBMを特異的に認識する抗ヒトsOBMモノクローナル抗体のほとんど全ては膜結合部位を有するintactなヒトOBMも認識するが、マウスsOBM及び膜結合部位を有するintactなマウスOBMは認識しないことが明らかとなった。一方、ヒトsOBM及びマウスsOBMも認識するモノクローナル抗体も得られたが、その数は極めて少なく、これらの抗体はヒトOBM並びにマウスOBMにも交差性を有していることがわかった。これらの結果は、ヒトOBMとマウスOBMには共通した抗原認識部位、即ちエピトープが存在していることを示すものである。ヒトsOBMを免疫抗原として作製した抗ヒトsOBMモノクローナル抗体は、膜結合型のintactな蛋白質であるヒトOBMも等しく認識することから、抗ヒトsOBMモノクローナル抗体を抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体と名付けた。

20

【0116】

【表1】

抗体名	抗原			
	hsOBM	hOBM	msOBM	mOBM
H-OBM 1	+	+	-	-
H-OBM 2	+	+	-	-
H-OBM 3	+	+	-	-
H-OBM 4	+	+	-	-
H-OBM 5	+	+	-	-
H-OBM 6	+	+	-	-
H-OBM 7	+	+	-	-
H-OBM 8	+	+	-	-
H-OBM 9	+	+	+	+
H-OBM 10	+	+	-	-
H-OBM 11	+	+	-	-
H-OBM 12	+	+	-	-
H-OBM 13	+	+	+	+
H-OBM 14	+	+	-	-

10

(hsOBM: ヒト可溶性OBM、hOBM: ヒト膜結合型 OBМ、  
msOBM: マウス可溶性OBM、mOBM: マウス膜結合型 OBМ)

20

## 【0117】

〔実施例34〕

## モノクローナル抗体のクラス及びサブクラスの検定

本発明のモノクローナル抗体のクラス及びサブクラスを、イムノグロブリンクラス及びサブクラス分析キット(アマシャム社)を用いて検定した。検定は、キットに指示されているプロトコールに従い実施した。代表的なモノクローナル抗体についての結果を表2に示す。抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体の大多数はIgG<sub>1</sub>であり、その他IgG<sub>2a</sub>及びIgG<sub>2b</sub>も存在していた。又、いずれの抗体もライトチェーンは鎖であった。

30

## 【0118】

【表2】

抗体名	IgG <sub>1</sub>	IgG <sub>2a</sub>	IgG <sub>2b</sub>	IgG <sub>3</sub>	IgA	κ
H-OBM 8	-	+	-	-	-	+
H-OBM 9	+	-	-	-	-	+
H-OBM 10	+	-	-	-	-	+
H-OBM 11	+	-	-	-	-	+
H-OBM 12	-	-	+	-	-	+
H-OBM 13	+	-	-	-	-	+
H-OBM 14	+	-	-	-	-	+

40

## 【0119】

〔実施例35〕

## モノクローナル抗体の解離定数(Kd値)の測定

公知の方法(Betrand Friguet et al.: Journal of Immunological Methods, 77,305-319,1986)に従い、モノクローナル抗体の解離定数を測定した。即ち、実施例32で得られた精製抗体を5ng/mlに40%ブロッカー、0.1% polysorbate20を含む0.4M Tris-HCl pH7.4(1次

50

バッファー)で希釈し、これに実施例28で得られた精製ヒト可溶性OBM(hsOBM)を6.25ng/ml ~ 10 µg/mlになるように1次バッファーで希釈したものを等容量混ぜ、4 で15時間静置することによりhsOBMとモノクローナル抗体を結合させた。15時間後、hsOBMと未結合の抗体をhsOBM(10 µg/ml、100 µl/ウェル)を固相化したソリッドフェーズELISAにて測定することにより、モノクローナル抗体のhsOBMに対する解離定数を算定した。又、hsOBMに対するモノクローナル抗体でありながら、マウス可溶性OBM(msOBM)にも交差する抗体のmsOBMに対する親和性についても、上記のhsOBMの代わりにmsOBMを使用することにより同様に測定した。特に、各抗原に高い親和性を示し、酵素免疫測定法やその他バインディングアッセイ等に有用な抗体についての結果を第3表に示す。

【0120】

【表3】

抗体名	サブクラス	抗原	解離定数 Kd (M)
H-OBM 1	IgG <sub>1</sub> (κ)	hsOBM	$1 \times 10^{-11} < Kd < 1 \times 10^{-10}$
H-OBM 4	IgG <sub>1</sub> (κ)	hsOBM	$1 \times 10^{-11} < Kd < 1 \times 10^{-10}$
H-OBM 9	IgG <sub>1</sub> (κ)	hsOBM	$1 \times 10^{-9} < Kd < 1 \times 10^{-8}$
H-OBM 9	IgG <sub>1</sub> (κ)	msOBM	$1 \times 10^{-8} < Kd < 1 \times 10^{-7}$

この結果、ヒト可溶性OBM(hsOBM)に特異的な抗体であるH-OBM1及びH-OBM4は解離定数(Kd)が $10^{-11}$ Mオーダーで、hsOBMに極めて高い親和性を有していることが明らかになった。一方、hsOBM及びマウス可溶性OBM(msOBM)の両方を認識する抗体、H-OBM9のKd値は、msOBMに対しては $10^{-8}$ オーダーであり、hsOBMに対しては $10^{-9}$ Mオーダーであった。又、表1に記載の両抗原を認識する他の抗体、H-OBM13の両抗原に対する解離定数は、H-OBM9と差異はなく、両抗体はサブクラスも一致していることから、同じエピトープを認識する同一抗体である可能性が示唆された。

【0121】

〔実施例36〕

抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体を用いたサンドイッチELISAによるヒトOBM及びsOBMの測定方法

実施例35で得られた2種類の高親和性モノクローナル抗体、H-OBM1及びH-OBM4をそれぞれ固相抗体と酵素標識抗体として、サンドイッチELISAを構築した。

抗体の標識は、マレイミド活性化パーオキシダーゼキット(ピアス社)を用いて行った。H-OBM1抗体を10 µg/mlになるよう0.1M炭酸水素ナトリウム溶液に溶解し、100 µlずつ96-ウェルイムプレート(Nunc社)の各ウェルに加え、4 で一夜静置し固相化した。各ウェルの溶液を捨て、50%濃度のブロックエース300 µlを加え、室温で2時間静置しブロッキングした。ブロッキング後、プレートを0.1%polysorbate20を含むリン酸塩緩衝生理食塩水(PBS-P)で洗浄した。ヒト可溶性sOBM及びヒトOBMをそれぞれ40%ブロックエース(雪印乳業社)及び0.1%polysorbate20(和光純薬社)を含む0.4MTris-HC(pH7.4)(1次反応バッファー)に溶解、希釈し、種々の濃度の被験溶液を調製した。種々の濃度に調製したそれぞれの被験溶液を100 µlずつ各ウェルに加え、室温で2時間反応させた。2時間後、プレートをPBS-Pで洗浄し、25%ブロックエース及び0.1%polysorbate20を含む0.2MTris-HCl(pH7.4)(2次反応バッファー)で希釈したPOD標識H-OBM4抗体を各ウェルに100 µl加え、室温で2時間反応さ

10

20

30

40

50

せた。

プレートをPBS-Pで洗浄した後、各ウェルに100 $\mu$ lの酵素基質溶液(TMB, ScyTek社)を加えて発色させた後、反応停止液(stopping reagent, ScyTek社)を100 $\mu$ lずつ各ウェルに加えて酵素反応を停止した。各ウェルの450nmにおける吸光度をマイクロプレートリーダーを用いて測定した。結果を図27に示す。

この結果、実施例35で得られた2種類の高親和性抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体、H-OBmI及びH-OBM4を用いて構築したサンドイッチELISAは、ヒトOBM及びヒトsOBMを等しく認識し、その測定感度は約 $1.25-2.5 \times 10^{-3}$  pmol/ml(分子量約40kDaのヒトOBMでは約50-100pg/ml、分子量約32kDaのヒトsOBMでは約40-80pg/ml)で極めて微量のヒトOBM及びヒトsOBMを測定できることが明らかとなった。尚、これら2種類の抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体、H-OBmI及びH-OBM4を生産するハイブリドーマをH-OBmI及びH-OBM4と命名し、またマウスOBM及びマウスsOBMも認識し、破骨細胞形成抑制活性を発揮する抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体、H-OBM9を生産するハイブリドーマをH-OBM9と命名した。これらのハイブリドーマは、通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所(現独立行政法人産業技術総合研究所 微生物寄託センター)に受託番号FERM BP-6264 (H-OBmI)、FERM BP-6265 (H-OBM4)、及びFERM BP-6266 (H-OBM9)として、平成9年11月5日にそれぞれ寄託されている。

【0122】

〔実施例37〕

マウスOBM及びマウスsOBMを認識する抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体を用いたマウスOBM及びマウスsOBMの測定

実施例33及び35で得られたマウスOBM及びマウスsOBMも認識する抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体、H-OBM9を固相抗体とし、実施例28で得られた抗マウスOBM/sOBMポリクローナル抗体を酵素標識抗体とするサンドイッチELISAを構築した。

マウスOBM及びマウスsOBMをそれぞれ実施例35と同様に一次反应用バッファーで段階的に希釈し、実施例36と同様の方法によりマウスOBM及びマウスsOBMを測定した。結果を図28に示す。この結果、本発明のマウスOBM及びマウスsOBMも認識する本発明の抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体、H-OBM9を使用することにより、マウスOBM及びマウスsOBMを同様に測定できることが確認された。実施例35の結果に示すように、この抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体、H-OBM9はマウスsOBMに対する解離定数が高い、即ちマウスsOBMに対する親和性が比較的低いことから、本ELISAによるマウスOBM(分子量約40kDa)及びマウスsOBM(分子量約32kDa)の測定感度は、約 $25 \times 10^{-3}$  pmol/ml(マウスOBMでは約1ng/ml、マウスsOBMでは約0.8ng/ml)程度であった。

【0123】

〔実施例38〕

抗OBM/sOBM抗体による破骨細胞形成抑制活性試験

マウス脾細胞とST2細胞(マウス骨髄由来間質細胞)とのco-cultureでosteoclast-like cell(OCL)が誘導されることが知られている(Endocrinology, 125, 1805-1813(1989))。そこで、OBM/sOBM抗体をこのco-cultureに添加した時、OCL誘導を抑制するか否かを検討した。このco-culture系においてはマウスOBMが発現しているため、実施例に使用する抗体はマウスOBMを認識するウサギ抗マウスOBM/sOBMポリクローナル抗体、及びヒトOBM及びマウスOBMの両抗原を認識するヒト抗OBM/sOBMモノクローナル抗体、H-OBM9を用いた。10%FCSを含むMEMにて段階希釈したそれぞれのOBM抗体を24well plate(ヌンク社)に700 $\mu$ l/well、上記培地にて懸濁した雄マウス脾細胞( $2 \times 10^6$ /ml)を350 $\mu$ l/well添加した。次いでトリプシナイズしたST2細胞を $4 \times 10^{-8}$  M VitaminD<sub>3</sub>及び $4 \times 10^{-7}$  M Dexamethazoneを含む上記培地に懸濁し( $8 \times 10^4$  cells/ml)350 $\mu$ l/well添加し、37 $^{\circ}$ Cで6日間培養した。培養プレートをPBSにて1回洗浄したのち、50%エタノール、50%アセトンの混合液にて室温で1分間固定した。プレートを風乾した後、LEUKOCYTE ACID PHOSPHATASEキット(シグマ社)のプロトコールに従い基質液を500 $\mu$ l/well添加し、37 $^{\circ}$ Cで55分間反応させた。この反応により破骨細胞特異的マーカーである酒石酸耐性酸性フォスファターゼ活性(TRAP活性)を示す細胞のみが染色される。プレートを蒸留水で1回洗浄した後風乾してTRAP陽性細胞数をカウントし

た。結果を表4に示す。この結果、ウサギ抗マウスOBM/sOBMポリクローナル抗体及びマウスOBMを認識する抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体、H-OBM9とも抗体濃度に依存してOCL誘導を阻害することがわかった。

これらの抗体は、破骨細胞形成因子、OCIF/OPGと同様に破骨細胞形成抑制活性を有し、骨代謝異常症治療薬として有望であることが明らかになった。

【0124】

【表4】

抗体添加量 (ng/ml)	TRAP 陽性多核細胞数	
	ウサギ 抗マウス OBM/sOBM ポリクローナル 抗体	マウス 抗ヒトOBM/sOBM モノクローナル 抗体 (H-OBM 9)
0	1155 ± 53	1050 ± 45
10	510 ± 24	650 ± 25
100	10 ± 3	15 ± 4

(平均±標準偏差、n=3)

【0125】

〔実施例39〕

#### Trx-OBMのヒト破骨細胞形成誘導活性

成人健常者より静脈採取した全血から、Histopaque(sigma社)を用い、添付のプロトコールに従いdensity gradient法によって単核細胞を調製した。この単核細胞を $10^{-7}$ Mデキサメサゾン、200ng/mlマクロファージコロニー刺激因子(ミドリ十字社)、10%牛胎児血清及び実施例15で得られた。精製されたTrx-OBM(0-100ng/ml)を含むMEMに $1.3 \times 10^6$ /mlになるように懸濁し、この懸濁液を48ウェルプレートに1ウェルあたり300 $\mu$ l添加し3日間37で培養した。培養液を上記培地で交換後、さらに4日間37で培養した。培養した細胞を実施例5に示した方法で酒石酸耐性酸性フォスファターゼ活性(TRAP活性)を示す細胞を選択的に染色し、染色された多核細胞の数を顕微鏡観察により測定した。結果を図29に示す。この結果、Trx-OBMを添加しなかったウェル中にはTRAP活性を示す細胞はほとんど検出されなかったのに対し、Trx-OBMを添加すると濃度依存的にTRAP陽性多核細胞が出現した。又、これらのTRAP陽性多核細胞は破骨細胞のマーカーであるピトロネクチンレセプターも陽性であった。さらに、同様の培養を48ウェルプレートに静置した象牙質切片上で行うと、Trx-OBM存在下でのみ象牙質切片上に吸収窩が形成された。これより、Trx-OBMにはヒト破骨細胞形成を誘導する活性があることが明らかとなった。

【0126】

〔実施例40〕

#### 抗OBM/sOBM抗体による骨吸収抑制活性

妊娠15日目のddYマウス(日本SLC社)に $[^{45}\text{Ca}]\text{-CaCl}_2$ 溶液(Amersham社)を1匹あたり25 $\mu$ Ci皮下注射し、胎仔の骨を $^{45}\text{Ca}$ でラベルした。翌日、マウスを屠殺し開腹して、子宮から胎仔を取り出した。胎仔より前肢を摘出して、皮膚及び筋肉を剥がし長管骨を摘出し、さらに軟骨を除去して長管骨の骨幹部のみにした。骨幹部は24穴プレートに入れた0.5mlの培養液(0.2%牛血清アルブミン(sigma社)を含むBGJb medium(GIBCO BRL社))に1本ずつ浮かべ、37, 5% CO<sub>2</sub>存在下で24時間培養した。前培養終了後、各種骨吸収因子(ビタミンD<sub>3</sub>、プロスタグランジンE<sub>2</sub>、副甲状腺ホルモン、インターロイキン1)、及び正常ウサギIgG(100 $\mu$ g/ml;対照として)又は実施例28で得られたウサギ抗OBM/sOBMポリクローナル抗体を含む新しい培養液(0.5ml)に長管骨を移し、さらに72時間培養した。培養終了後、長管骨は0.5mlの5%トリクロロ酢酸水溶液(和光純薬社)に入れ、室温で3時間以上処理して脱灰した。培養液及びトリクロロ酢酸抽出液(共に0.5ml)にシンチレーター(AQUASOL-2、PACKARD

10

20

30

40

50

社)5mlを加え、 $^{45}\text{Ca}$ の放射活性を測定し、骨吸収により培養液中に遊離した $^{45}\text{Ca}$ の割合を算出した。結果を図30～図33にそれぞれ示す。この結果、ビタミン $\text{D}_3$  ( $10^{-8}\text{M}$ )は骨吸収活性を上昇させたが、ウサギ抗OBM/sOBMポリクローナル抗体を加えることにより、濃度依存的にビタミン $\text{D}_3$ による骨吸収を抑制し、 $100\mu\text{g/ml}$ の濃度において完全に抑制した(図30)。又、プロスタグランジン $\text{E}_2$  ( $10^{-6}\text{M}$ )あるいは副甲状腺ホルモン( $100\text{ng/ml}$ )は骨吸収活性を上昇させたが、ウサギ抗OBM/sOBMポリクローナル抗体の添加( $100\mu\text{g/ml}$ )により、プロスタグランジン $\text{E}_2$ 及び副甲状腺ホルモンによる骨吸収をほぼ完全に抑制した(図31及び図32)。一方、陽性対照として用いた正常ウサギIgG( $100\mu\text{g/ml}$ )は、プロスタグランジン $\text{E}_2$ 及び副甲状腺ホルモンによる骨吸収に対して影響しなかった。又、インターロイキン1 ( $10\text{ng/ml}$ )によっても骨吸収が引き起こされたが、ウサギ抗OBM/sOBMポリクローナル抗体( $100\mu\text{g/ml}$ )により有意に抑制された(図23)。これらの結果より、本発明抗体は骨吸収抑制物質として優れていることが明らかとなった。マウス抗ヒトOBM/sOBM抗体であるH-OBM9についても同様の実験を行った結果、ウサギ抗OBM/sOBMポリクローナル抗体とほぼ同等の骨吸収抑制活性があることが確認された。

#### 【0127】

##### 産業上の利用の可能性

本発明により、破骨細胞形成抑制因子(Osteoclastogenesis inhibitory factor; OCIF)に結合する新規な蛋白質、その製造方法、この蛋白質を用いて該蛋白質の発現を調節する物質のスクリーニング方法、該蛋白質の作用を阻害又は修飾する物質のスクリーニング方法、該蛋白質と結合してその作用を伝達するレセプターのスクリーニング方法、及びこれらのスクリーニング方法により得られた物質を含有する医薬組成物、該蛋白質に対する抗体、及びその抗体を用いた骨代謝異常治療剤が提供される。

また、本発明により、破骨細胞形成抑制因子OCIFに結合する新規な蛋白質(OCIF結合分子)をコードするDNA、そのDNAによりコードされるアミノ酸配列を有する蛋白質、そのDNAを用いてOCIFに特異的に結合する蛋白質を遺伝子工学的に製造する方法、及び該蛋白質を含有する骨代謝治療剤が提供される。更に、OCIF結合分子の発現を調節するスクリーニング方法、OCIF結合分子と結合しその作用を阻害又は修飾する物質のスクリーニング方法、OCIF結合分子と結合しその作用を伝達するレセプターのスクリーニング方法、これらのスクリーニングの結果得られた物質を含有する医薬組成物が提供される。

さらに、破骨細胞形成抑制因子OCIFに結合する新規なヒト蛋白質(ヒト由来OCIF結合分子、ヒトOBM)をコードするDNA、そのDNAによりコードされるアミノ酸配列を有する蛋白質、そのDNAを用いてOCIFに特異的に結合する性質を有し、破骨細胞の分化、成熟を支持、促進する生物活性を有する蛋白質を遺伝子工学的に製造する方法、及び該蛋白質を含有する骨代謝異常症治療剤が提供される。OCIF結合分子の発現を調節する物質のスクリーニング方法、OCIF結合分子と結合し、その作用を阻害又は修飾する物質のスクリーニング方法、OCIF結合分子と結合し、その生物作用を伝達するレセプターのスクリーニング方法、及びこれらのスクリーニングの結果得られた物質を含有する医薬組成物、さらにヒト由来OCIF結合蛋白質に対する抗体及びその抗体を用いた骨代謝異常症の予防及び/又は治療薬が提供される。

またさらに、本発明により、OCIFに特異的に結合する膜結合分子(OCIF binding molecule; OBM)蛋白質及び膜結合部位を欠損した可溶性OBM(sOBM)の両抗原を認識する抗体(抗OBM/sOBM抗体)、その製造方法、この抗体を用いたOBM及びsOBMの測定方法、さらにこの抗体を有効成分とする骨代謝異常症予防及び/又は治療剤が提供される。

本発明により得られた蛋白質あるいは抗体は、医薬あるいは研究又は試験用試薬として有用である。

#### 【0128】

##### 【配列表フリーテキスト】

配列番号3: PCRプライマー SRR2

配列番号4: PCRプライマー ml3PrimerM3

配列番号5: PCRプライマー ml3PrimerRV

10

20

30

40

50

配列番号 6 : PCRプライマー OBM#8  
配列番号 7 : PCRプライマー OBM HF  
配列番号 8 : PCRプライマー OBM XR  
配列番号 9 : PCRプライマー OBM #3  
配列番号 10 : PCRプライマー OBM SaIR2  
配列番号 13 : PCRプライマー ヒトOBM SF  
配列番号 14 : PCRプライマー ヒトOBM SaIR2

【配列表】

## SEQUENCE LISTING

- <110> Sankyo Co., Ltd
- <120> Novel Protein and Method for Producing the Protein
- <130> 2003-104SV
- <140>
- <141>
- <150> JP H09-97808
- <151> 1997-04-15
- <150> JP H09-151434
- <151> 1997-06-09
- <150> JP H09-217897
- <151> 1997-08-12
- <150> JP H09-224803
- <151> 1997-08-21
- <150> JP H09-332241
- <151> 1997-12-02
- <150> PCT/JP98/01728
- <151> 1998-04-15
- <150> JP H10-543741

<151> 1998-04-15

<160> 19

<170> PatentIn version 3.1.2

<210> 1

10

<211> 316

<212> PRT

<213> mouse OBM

<220>

<223> Inventor: Yamaguchi, Kyoji

Inventor: Yasuda, Hisataka

Inventor: Nakagawa, Nobuaki

Inventor: Shima, Nobuyuki

Inventor: Kinosak, Masahiko

Inventor: Tsuda, Eisuke

Inventor: Goto, Masaaki

Inventor: Yano, Kazuki

Inventor: Tomoyasu, Akihiro

Inventor: Kobayashi, Fumie

Inventor: Washida, Naohiro

Inventor: Takahashi, Ken

Inventor: Morinaga, Tomonori

Inventor: Higashio, Kanji

20

30

<400> 1

40

Met Arg Arg Ala Ser Arg Asp Tyr Gly Lys Tyr Leu Arg Ser Ser

1	5	10	15												
Glu	Glu	Met	Gly	Ser	Gly	Pro	Gly	Val	Pro	His	Glu	Gly	Pro	Leu	
	20								25					30	
His	Pro	Ala	Pro	Ser	Ala	Pro	Ala	Pro	Ala	Pro	Pro	Pro	Ala	Ala	
	35								40					45	
Ser	Arg	Ser	Met	Phe	Leu	Ala	Leu	Leu	Gly	Leu	Gly	Leu	Gly	Gln	
	50								55					60	10
Val	Val	Cys	Ser	Ile	Ala	Leu	Phe	Leu	Tyr	Phe	Arg	Ala	Gln	Met	
	65								70					75	
Asp	Pro	Asn	Arg	Ile	Ser	Glu	Asp	Ser	Thr	His	Cys	Phe	Tyr	Arg	
	80								85					90	
Ile	Leu	Arg	Leu	His	Glu	Asn	Ala	Gly	Leu	Gln	Asp	Ser	Thr	Leu	
	95								100					105	
Glu	Ser	Glu	Asp	Thr	Leu	Pro	Asp	Ser	Cys	Arg	Arg	Met	Lys	Gln	20
	110								115					120	
Ala	Phe	Gln	Gly	Ala	Val	Gln	Lys	Glu	Leu	Gln	His	Ile	Val	Gly	
	125								130					135	
Pro	Gln	Arg	Phe	Ser	Gly	Ala	Pro	Ala	Met	Met	Glu	Gly	Ser	Trp	
	140								145					150	
Leu	Asp	Val	Ala	Gln	Arg	Gly	Lys	Pro	Glu	Ala	Gln	Pro	Phe	Ala	
	155								160					165	30
His	Leu	Thr	Ile	Asn	Ala	Ala	Ser	Ile	Pro	Ser	Gly	Ser	His	Lys	
	170								175					180	
Val	Thr	Leu	Ser	Ser	Trp	Tyr	His	Asp	Arg	Gly	Trp	Ala	Lys	Ile	
	185								190					195	
Ser	Asn	Met	Thr	Leu	Ser	Asn	Gly	Lys	Leu	Arg	Val	Asn	Gln	Asp	
	200								205					210	
Gly	Phe	Tyr	Tyr	Leu	Tyr	Ala	Asn	Ile	Cys	Phe	Arg	His	His	Glu	40
	215								220					225	

Thr Ser Gly Ser Val Pro Thr Asp Tyr Leu Gln Leu Met Val Tyr  
                   230                  235                  240  
 Val Val Lys Thr Ser Ile Lys Ile Pro Ser Ser His Asn Leu Met  
                   245                  250                  255  
 Lys Gly Gly Ser Thr Lys Asn Trp Ser Gly Asn Ser Glu Phe His  
                   260                  265                  270  
 Phe Tyr Ser Ile Asn Val Gly Gly Phe Phe Lys Leu Arg Ala Gly  
                   275                  280                  285  
 Glu Glu Ile Ser Ile Gln Val Ser Asn Pro Ser Leu Leu Asp Pro  
                   290                  295                  300  
 Asp Gln Asp Ala Thr Tyr Phe Gly Ala Phe Lys Val Gln Asp Ile  
                   305                  310                  315

10

Asp  
 316

20

<210> 2

<211> 1538

<212> DNA

<213> mouse OBM cDNA

<400> 2

30

gccaggacct ctgigaaccg gtcggggcgg gggccgcctg gccgggagtc tgctcggcgg 60  
 tgggtggccg aggaagggag agaacgatcg cggagcaggg cggccgaact ccgggcgccc 120  
 cgccatgcgc cgggccagcc gagactacgg caagtacctg cgcagctcgg aggagatggg 180  
 cagcggcccc ggcgtccac acgagggtec gctgcacccc gcgccttcig caccggctcc 240  
 ggcgccgcca cccgccgctt cccgctccat gtacctggcc ctctggggc tgggactggg 300  
 ccaggtggtc tgcagcatcg ctctgttctt gtactttcga gccagatgg atcctaacag 360  
 aatatacagaa gacagcactc actgctttta tagaatctg agactccatg aaaacgcagg 420  
 ttgacaggac tcgactctgg agagtgaaga cacactacct gactcctgca ggaggatgaa 480

40

acaagccitt cagggggccg tgcagaagga acigcaacac attgtggggc cacagcgctt 540  
 ctcaggagct ccagctatga tggaaaggctc atggttggat gtggcccagc gaggcaagcc 600  
 tgaggcccag ccatttgcac acccaccat caatgtctcc agcatcccat cgggttccca 660  
 taaagtcact ctgtctcttt ggtaccacga tggaggctgg gccaaagatct ctaacatgac 720  
 gttaaagcaac ggaaaactaa gggttaacca agatggcttc tattacctgt acgccaacat 780  
 ttgtcttggc catcatgaaa catcgggaag cgtacctaca gactatcttc agctgatggt 840  
 gtatgtctgt aaaaccagca tcaaaaatccc aagttctcat aacctgatga aaggagggag 900  
 cacgaaaaac tggctgggca attctgaatt ccacttttat tccataaatg ttgggggatt 960  
 ttccaagctc cgagctggig aagaaattag cattcaggig tccaaccctt cctgtctgga 1020  
 tccggatcaa gatgcgacgt actttggggc ttccaagtt caggacatag actgagactc 1080  
 atttctgga acattagcat ggatgtctta gatgtttgga aacttcttaa aaaatggatg 1140  
 atgtctatac atgigtgaaga ctactaagag acatggccca cggigtatga aactcacagc 1200  
 cctctctctt gagccctgtac aggttggta tatgtaaagt ccataggiga tgitagatic 1260  
 atggtgatta cacaacgggt ttacaatttt gtaatgattt cctagaattg aaccagattg 1320  
 ggagaggtat tccgatgctt atgaaaaact tacacgtgag ctatggaagg gggtcacagt 1380  
 ctctgggtct aacccttggga catgtgccac tgagaacctt gaaattaaga ggatgccatg 1440  
 tcattgcaa gaaatgatag tgtgaagggt taagttcttt tgaattgta cattgcgctg 1500  
 ggacctgcaa ataagttctt ttttctaat gaggagag 1538

10

20

<210> 3

<211> 21

30

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: PCR primer SRR2

<400> 3

40

aaacgcaaaa aaccagaaag g 21

<210> 4  
<211> 17  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220> 10  
<223> Description of Artificial Sequence: PCR primer ml3PrimerM3

<400> 4  
gtaaaacgac ggccagt 17

<210> 5  
<211> 17 20  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> Description of Artificial Sequence: PCR primer ml3PrimerRV

<400> 5 30  
caggaaacag ctatgac 17

<210> 6  
<211> 22  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence 40

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: PCR primer OBM#8

<400> 6

aagcccaaaa gtacgtcgca tc 22

<210> 7

<211> 26

10

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: PCR primer OBM HF

<400> 7

20

cgaagctttc gagcgcagat ggatcc 26

<210> 8

<211> 27

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

30

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: PCR primer OBM XR

<400> 8

cctctagagt ctatgtcctg aagtttg 27

<210> 9

40

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: PCR primer OBM#3

<400> 9

10

atcagaagac agcactcact 20

<210> 10

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

20

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: PCR primer OBM SalR2

<400> 10

ggggtcgacc taggacatcc atgctaattg tcc 33

<210> 11

30

<211> 317

<212> PRT

<213> human OBM

<400> 11

Met Arg Arg Ala Ser Arg Asp Tyr Thr Lys Tyr Leu Arg Gly Ser Glu

5

10

15

40

Glu Met Gly Gly Gly Pro Gly Ala Pro His Glu Gly Pro Leu His Ala



Lys Gly Gly Ser Thr Lys Tyr Trp Ser Gly Asn Ser Glu Phe His Phe  
                   260                                  265                                  270  
 Tyr Ser Ile Asn Val Gly Gly Phe Phe Lys Leu Arg Ser Gly Glu Glu  
                   275                                  280                                  285  
 Ile Ser Ile Glu Val Ser Asn Pro Ser Leu Leu Asp Pro Asp Gln Asp  
                   290                                  295                                  300  
 Ala Thr Tyr Phe Gly Ala Phe Lys Val Arg Asp Ile Asp  
                   305                                  310                                  315

10

<210> 12

<211> 954

<212> DNA

<213> human OBM cDNA

20

<400> 12

atgcgccg ccagcagaga ctacaccaag tacctgctg gctcggagga gatgggcggc 60  
 ggccccggag ccccgcacga gggccccctg cacgccccgc cgccgctgc gccgcaccag 120  
 cccccgccc cctcccgcct catgttcctg gccctcctgg ggcctgggct gggccagggt 180  
 gtcgacagc tcgcccgtt ctctatttc agagcgcaga tggatcctaa tagaatatca 240  
 gaagatggca ctacatgcat ttatagaatt ttgagactcc atgaaaatgc agattttcaa 300  
 gacacaactc tggagagtca agatacaaaa ttaataacctg attcatgtag gagaattaaa 360  
 caggcccttc aaggagctgt gcaaaaaggaa ttacaacata tcgttggatc acagcacatc 420  
 agagcagaga aagcgatggt ggatggctca tggtagatc tggccaagag gagcaagctt 480  
 gaagctcagc cttttgctca tctcactatt aatgccaccg acateccatc tggttcccat 540  
 aaagtgagtc tctctcttg gtacatgat cggggttggg ccaagatctc caacatgact 600  
 tttagcaatg gaaaactaat agttaatcag gatggctttt attacctgta tgccaacatt 660  
 tgccttcgac atcatgaaac ttcaggagac cttagctacag agtatcttca actaatggig 720  
 tacgtcacta aaaccagcat caaaatccca agttctcata cctgatgaa aggaggaagc 780  
 accaagtatt ggtcagggaa tctgaattc catttttatt ccataaacgt tggtagattt 840

30

40

tttaagttac ggtctggaga ggaaatcagc atcgaggcti ccaacccctc citactggat 900  
ccggatcagg atgcaacata ctttggggct tttaaagtic gagatataga tga 954

<210> 13

<211> 27

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

10

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: PCR primer human OBM SF

<400> 13

ggcgtacgca gagcgcagat ggatcct 27

20

<210>14

<211>34

<212>DNA

<213>Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: PCR primer human OBM Sa1R2

30

<400> 14

ggggtcgacc atccaggaaa taccataaca ctcc 34

<210> 15

<211> 951

<212> DNA

<213> mouse OBM DNA

40

<400> 15

atgcgccggg ccagccgaga ctacggcaag taccitgcga gctcggagga gatgggcagc 60  
ggccccggcg tcccacacga gggtcgcctg cccccgcgc cttctgcacc ggctccggcg 120  
ccgccacccg ccgcctcccg ctccatgitt ctggccctcc tggggctggg actgggccag 180  
gtggcttgcg gcatecctct gttcctgtac ttctgagcgc agatggatec taacagaata 240  
tcagaagaca gcactcactg cttttataga atcctgagac tccatgaaaa cgcaggittg 300  
caggactcga ctctggagag tgaagacaca ctacctgact cctgcaggag gatgaaacaa 360  
gcctttcagg gggccgtgca gaaggaactg caacacattg tggggccaca gcgcttctca 420  
ggagctccag ctatgatgga aggcctcatg ttggatgigg cccagcaggg caagcctgag 480  
gcccagccat ttgcacacct caccatcaat gcigccagca tcccatcggg ticccataaa 540  
gtcactctgt cctcttggta ccacgatcga ggcctgggcca agatctctaa catgacgta 600  
agcaacggaa aactaaggtt taaccaagat ggcttctatt accgtiacgc caacattgc 660  
tttcggcact atgaaacatc ggggaagcgt cctacagact atcttcagct gatgggtgat 720  
gtcgttaaaa ccagcatcaa aatcccaagt tctcataacc tgatgaaagg agggagcagc 780  
aaaaactggt cgggcaattc tgaattccac ttttattcca taaatgttgg gggatttttc 840  
aagctccgag ctggtgaaga aattagcatt cagggtgcc acccttcct gctggatccg 900  
gatcaagatg cgacgtactt tggggctttc aaagttcagg acatagactg a 951

10

20

<210> 16

<211> 244

<212> PRT

<213> mouse sOBM

30

<400> 16

Ala Gln Met Asp Pro Asn Arg Ile Ser Glu Asp Ser Thr His Cys Phe  
1                    5                    10                    15  
Tyr Arg Ile Leu Arg Leu His Glu Asn Ala Gly Leu Gln Asp Ser Thr  
                    20                    25                    30

40





	180		185		190										
Trp	Ser	Gly	Asn	Ser	Glu	Phe	His	Phe	Tyr	Ser	Ile	Asn	Val	Gly	Gly
	195							200					205		
Phe	Phe	Lys	Leu	Arg	Ser	Gly	Glu	Glu	Ile	Ser	Ile	Glu	Val	Ser	Asn
	210						215				220				
Pro	Ser	Leu	Leu	Asp	Pro	Asp	Gln	Asp	Ala	Thr	Tyr	Phe	Gly	Ala	Phe
	225				230					235					240
Lys	Val	Arg	Asp	Ile	Asp										
				245											

10

<210> 18

<211> 735

<212> DNA

<213> mouse sOBM cDNA

20

<400> 18

```

gcgcagatgg atcctaacag aatatcagaa gacagcactc actgcittta tagaatccig 60
agactccatg aaaacgcagg ttgcaggac tcgactcigg agagtgaaga cacactacct 120
gactccigca ggaggatgaa acaagccitt cagggggccg tgcagaagga actgcaacac 180
attgtggggc cacagcgctt ctcaggagct ccagctatga tggaaaggctc atggttggat 240
gtggcccagc gaggcaagcc tgaggcccag ccatttgcac acctcaccat caatgcigcc 300
agcateccat cgggttccca taaagtcact ctgtcctctt ggtaccacga tcgaggctgg 360
gccaagatct ctaacatgac gttaagcaac ggaaaactaa gggttaacca agatggcttc 420
tattacctgt acgccaacat ttgcittcgg catcatgaaa catcggaag cgtacctaca 480
gactatcttc agcigatggt gtatgtcgtt aaaaccagca tcaaaatccc aagtctcat 540
aacctgatga aaggagggag cacgaaaaac tggtcgggca attctgaatt ccactttat 600
tccataaatg ttgggggatt ttccaagctc cgagctgggtg aagaaattag cattcaggig 660
tccaaccctt cctigctgga tccggatcaa gatgcgacgt actttggggc ttccaagtt 720
caggacatag actga 735

```

30

40

<210> 19  
 <211> 741  
 <212> DNA  
 <213> human sOBM cDNA

<400> 19

```

gcgcagaatgg atcctaataag aatatacagaa gatggcactc actgcattta tagaattttg 60
agactccaatg aaaatgcaga tttcaagac acaactctgg agagicaaga tacaaaattia 120
ataccigatt catgtaggag aattaaacag gccittcaag gagctigtgca aaaggaattia 180
caacataatcg tiggatcaca gcacatcaga gcagagaaag cgatggigga tggcicatgg 240
ttagatcigg ccaagaggag caagctigaa gctcagccct ttgctcatct cactattaat 300
gccaccgaca tcccatcigg tcccataaa gtgagtcigt cctctiggta ccatgatcgg 360
ggttgggcca agatctccaa catgactttt agcaatggaa aactaatagt taatcaggat 420
ggcttttatt accigtatgc caacatttgc tticgacatc atgaaacttc aggagaccia 480
gctacagagt atcttcaact aatggigtac gtcactaaaa ccagcatcaa aatcccaagt 540
tctcataccc tgaatgaaagg aggaagcacc aagtattggt cagggaaatt tgaattccat 600
ttttattcca taaacgttgg tggatttttt aagttacggt ctggagagga aatcagcatc 660
gaggtctcca accctcctt actggatccg gatcaggatg caacatactt tggggctttt 720
aaagttcgag atatagatig a 741
  
```

10

20

30

【図面の簡単な説明】

【図1】本発明実施例3のマウスOBM蛋白質のSDS-PAGEの結果を示す。

〔符号の説明〕

(A): レーン1: 分子量マーカー

レーン2: 活性型ビタミンD<sub>3</sub>とデキサメサゾン存在下で培養したST2細胞からの部分精製標品(Gly-HCl(pH2.0)溶出画分)

レーン3: 活性型ビタミンD<sub>3</sub>とデキサメサゾン非存在下で培養したST2細胞からの部分精製標品(Gly-HCl(pH2.0)溶出画分)

(B): レーン1: 分子量マーカー

レーン2: 逆相高速液体クロマトグラフィーで精製した本発明マウスOBM蛋白質(実施例3)

40

【図2】実施例4の<sup>125</sup>Iで標識したOCIFの骨芽細胞様ストローマ細胞ST2への結合試験の結果を示す。

【図3】実施例5(1)の継代数の違う骨芽細胞様ストローマ細胞ST2による破骨細胞形成支持能を示す。

〔符号の説明〕

1: 継代数約10代のST2細胞の破骨細胞形成支持能

2: 継代数約40代のST2細胞の破骨細胞形成支持能

【図4】実施例5(2)の活性型ビタミンD<sub>3</sub>及びデキサメサゾン存在下での培養における骨芽細胞様ストローマ細胞膜上の本発明蛋白質発現の経時変化を示す。

50

【図5】実施例5(2)の共培養系における破骨細胞形成の経時変化を示す。

【図6】実施例5(3)の共培養期間において、種々の培養期間のみOCIF処理した場合の破骨細胞形成抑制効果を示す。

【図7】実施例6の<sup>125</sup>I標識OCIFと本発明蛋白質とのクロスリンク試験の結果を示す。

〔符号の説明〕

レーン1:<sup>125</sup>I標識OCIF-CDDI

レーン2:<sup>125</sup>I標識OCIF-CDDIとST2細胞をクロスリンクさせたもの

レーン3:400倍濃度の未標識OCIFを添加してクロスリンクさせたもの

【図8】実施例9における、SDS-PAGEの結果を示す。

10

〔符号の説明〕

レーン1:pOBM291をトランスフェクトしたCOS-7細胞の蛋白質を、OCIF無添加で免疫沈降させたもの

レーン2:pOBM291をトランスフェクトしたCOS-7細胞の蛋白質を、OCIFを添加して免疫沈降させたもの

【図9】実施例10における、<sup>125</sup>Iで標識したOCIFの、pOBM291をトランスフェクトしたCOS-7細胞への結合試験の結果を示す。

〔符号の説明〕

レーン1及び2:<sup>125</sup>Iで標識したOCIFの、pOBM291をトランスフェクトしたCOS-7細胞への結合量

20

レーン3及び4:<sup>125</sup>Iで標識したOCIFの、pOBM291をトランスフェクトしたCOS-7細胞への結合量(400倍濃度の未標識OCIF添加時)

【図10】実施例11における、<sup>125</sup>Iで標識したOCIFを用いたクロスリンク試験の結果を示す。

〔符号の説明〕

レーン1:<sup>125</sup>I標識OCIF

レーン2:<sup>125</sup>I標識OCIFと、pOBM291をトランスフェクトしたCOS-7細胞をクロスリンクさせたもの

レーン3:400倍濃度の未標識OCIF存在下で、<sup>125</sup>I標識OCIFと、pOBM291をトランスフェクトしたCOS-7細胞をクロスリンクさせたもの

30

【図11】実施例12における、ノーザンプロットの結果を示す。

〔符号の説明〕

レーン1:ビタミンD及びデキサメサゾン無添加で培養したST2細胞由来RNA

レーン2:ビタミンD及びデキサメサゾンを添加し培養したST2細胞由来RNA

【図12】実施例13(2)における、OCIF濃度を変えた時の培養上清中蛋白質のOCIF結合能を示す。

〔符号の説明〕

:pCEP4

:pCEP sOBM

【図13】実施例13(2)における、培養上清の割合を変えた時の培養上清中蛋白質のOCIF結合能を示す。

40

〔符号の説明〕

:pCEP4

:pCEP sOBM

【図14】実施例14-(2)における、大腸菌で発現させたチオレドキシンとマウスOBMの融合蛋白質のSDS-PAGEの結果を示す。

〔符号の説明〕

レーン1:分子量マーカー

レーン2:G1724/pTrxFus由来可溶性蛋白質画分

レーン3:G1724/pTrxOBM25由来可溶性蛋白質画分

50

【図15】実施例14 (3)における、可溶性蛋白質画分の割合を変えた時のOCIF結合能を示す。

〔符号の説明〕

:GI724/pTrxFus

:GI724/pTrxOBM25

【図16】実施例14 (3)における、OCIF濃度を変えた時の可溶性蛋白質画分(1%)のOCIF結合能を示す。

〔符号の説明〕

:GI724/pTrxFus

:GI724/pTrxOBM25

【図17】本発明のマウスOBM cDNAにより発現され精製して得られる蛋白質マウスOBM、及び天然型の精製OCIF結合蛋白質とOCIFとの特異的結合能の、ウサギ抗マウスOBM抗体による阻害結果を示す。

〔符号の説明〕

1:抗体で処理したcDNAにより発現され精製して得られる蛋白質、OBM+<sup>125</sup>I-OCIF

2:抗体で処理した天然型の蛋白質+<sup>125</sup>I OCIF

3:抗体未処理のcDNAにより発現されて得られる蛋白質、マウスOBM+<sup>125</sup>I OCIF

4:抗体未処理の天然型の蛋白質+<sup>125</sup>I OCIF

5:3+非標識OCIF(<sup>125</sup>I-OCIFの400倍量)

6:4+非標識OCIF(<sup>125</sup>I-OCIFの400倍量)

【図18】本発明のcDNAにより発現される蛋白質、ヒトOBMのSDS-PAGEの結果を示す。

〔符号の説明〕

レーン1:分子量マーカー

レーン2:本発明のcDNAを含む発現ベクター、phOBMをトランスフェクトしたCOS-7細胞の蛋白質をOCIF無添加でウサギ抗OCIFポリクローナル抗体で免疫沈降させたもの

レーン3:本発明cDNAを含む発現ベクター、phOBMをトランスフェクトしたCOS-7細胞の蛋白質をOCIF添加でウサギ抗OCIFポリクローナル抗体で免疫沈降させたもの

【図19】本発明cDNAを含む発現ベクター、phOBMをトランスフェクトしたCOS-7細胞へのOCIFの結合試験の結果を示す。

〔符号の説明〕

レーン1:phOBMをトランスフェクトしたCOS-7細胞に<sup>125</sup>I-OCIFを添加したもの

レーン2:phOBMをトランスフェクトしたCOS-7細胞に<sup>125</sup>I-OCIFを添加し、さらに400倍量の非標識OCIFを加えたもの

【図20】本発明cDNAでコードされる蛋白質、ヒトOBMと<sup>125</sup>I-OCIF(モノマー型)とのクロスリンク試験の結果を示す。

〔符号の説明〕

レーン1:<sup>125</sup>I-OCIF

レーン2:<sup>125</sup>I OCIFとphOBMをトランスフェクトしたCOS-7細胞膜上の蛋白質とをクロスリンクさせたもの

レーン3:400倍濃度の非標識OCIF存在下で、<sup>125</sup>I-OCIFとphOBMをトランスフェクトしたCOS-7細胞膜上の蛋白質とをクロスリンクさせたもの

【図21】実施例23 (2)における、OCIF濃度を変えた時の培養液上清中蛋白質(分泌型hOBM)のOCIF結合能を示す。

〔符号の説明〕

:分泌型ヒトOBMをコードするcDNAを含まないベクターのみのpCEP4をトランスフェクトした293-EBNA細胞の培養液

:分泌型ヒトOBMをコードするcDNAを含む発現ベクターのpCEPshOBMをトランスフェクトした293-EBNA細胞の培養液

【図22】実施例23 (2)における、OCIF濃度を一定にし、添加する培養液量を変えた時の培養液上清中蛋白質(分泌型ヒトOBM)のOCIF結合能を示す。

10

20

30

40

50

〔符号の説明〕

○:分泌型ヒトOBMをコードするcDNAを含まないベクターのみのpCEP4をトランスフェクトした293-EBNA細胞の培養液

△:分泌型ヒトOBMをコードするcDNAを含む発現ベクターのpCEPshOBMをトランスフェクトした293-EBNA細胞の培養液

【図23】大腸菌で発現させたチオレドキシシンとヒトOBMの融合蛋白質のSDS-PAGEの結果を示す。

〔符号の説明〕

レーン1:分子量マーカー

レーン2:大腸菌G1724/pTrxFus由来可溶性蛋白質画分

レーン3:大腸菌G1724/pTrxhOBM由来可溶性蛋白質画分

【図24】実施例24 (3)における、チオレドキシシンとヒトOBMの融合蛋白質を含む大腸菌由来可溶性蛋白質画分の添加割合を変えた時の融合蛋白質と、OCIFとの結合能を示す。

〔符号の説明〕

○:大腸菌G1724/pTrxFus由来可溶性蛋白質画分

△:大腸菌G1724/pTrxshOBM由来可溶性蛋白質画分

【図25】実施例24 (3)における、OCIF濃度を変えた時の大腸菌由来可溶性蛋白質画分中のチオレドキシシンとヒトOBMの融合蛋白質と、OCIFとの結合能を示す。

〔符号の説明〕

○:大腸菌G1724/pTrxFus由来可溶性蛋白質画分

△:大腸菌G1724/pTrxshOBM由来可溶性蛋白質画分

【図26】本発明のウサギ抗ヒトOBM/sOBMポリクローナル抗体を用いたサンドイッチELISAによる、ヒトOBM及びsOBMの測定結果を示す。

〔符号の説明〕

□:ヒトOBM

○:ヒトsOBM

【図27】本発明の抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体を用いたサンドイッチELISAによる、ヒトOBM及びsOBMの測定結果を示す。

〔符号の説明〕

○:ヒトOBM

△:ヒトsOBM

【図28】本発明のマウスOBM及びsOBMにも交差性を有する抗ヒトOBM/sOBMモノクローナル抗体を用いたサンドイッチELISAによる、マウスOBM及びsOBMの測定結果を示す。

〔符号の説明〕

○:マウスOBM

△:マウスsOBM

【図29】チオレドキシシンとマウスOBMの融合蛋白質によるヒト破骨細胞様細胞形成の促進活性を示す。

【図30】ビタミンD<sub>3</sub>刺激による骨吸収活性の、抗OBM/sOBM抗体による抑制を示す。

【図31】プロスタグランジンE<sub>2</sub> (PGE<sub>2</sub>)刺激による骨吸収活性の、抗OBM/sOBM抗体による抑制を示す。

【図32】副甲状腺ホルモン (PTH)刺激による骨吸収活性の、抗OBM/sOBM抗体による抑制を示す。

【図33】インターロイキン1 (1L-1)刺激による骨吸収活性の、抗OBM/sOBM抗体による抑制を示す。

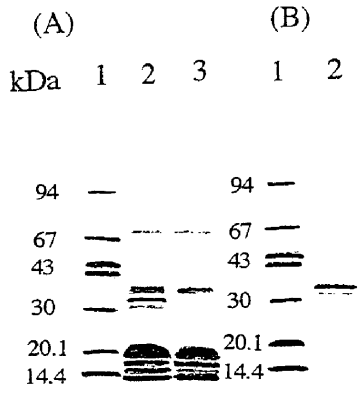
10

20

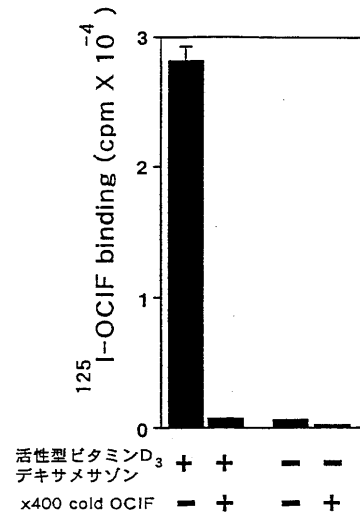
30

40

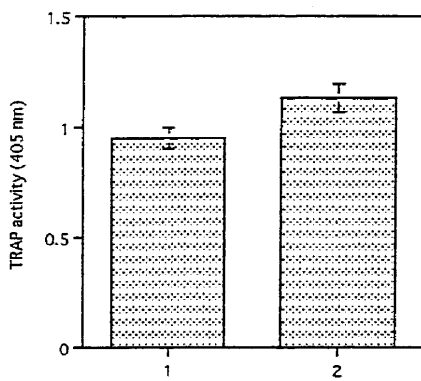
【 図 1 】



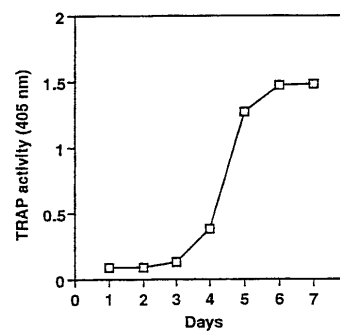
【 図 2 】



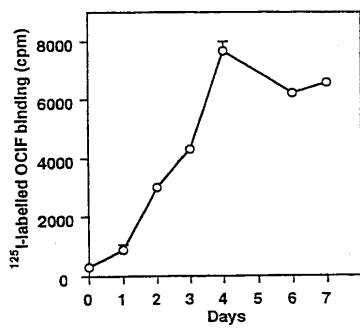
【 図 3 】



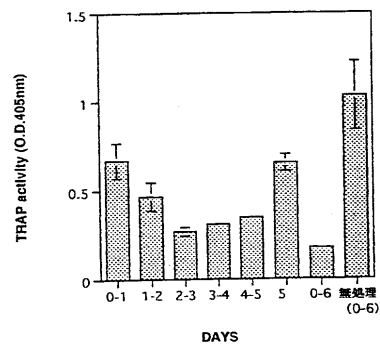
【 図 5 】



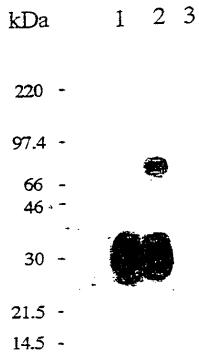
【 図 4 】



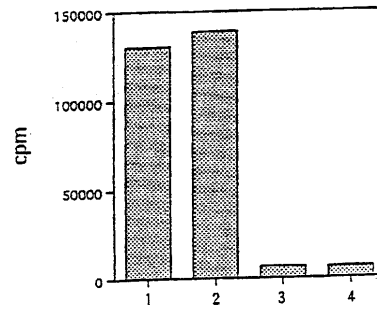
【 図 6 】



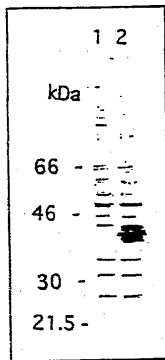
【 図 7 】



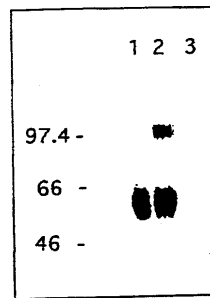
【 図 9 】



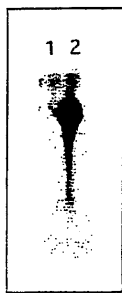
【 図 8 】



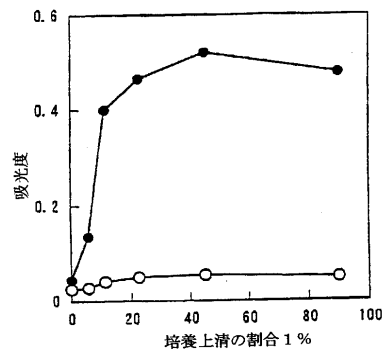
【 図 10 】



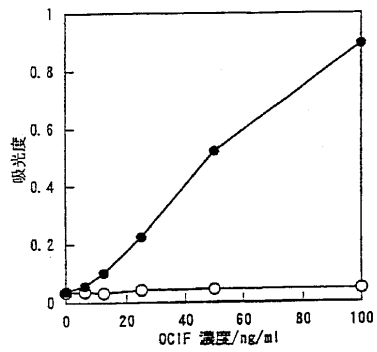
【 図 11 】



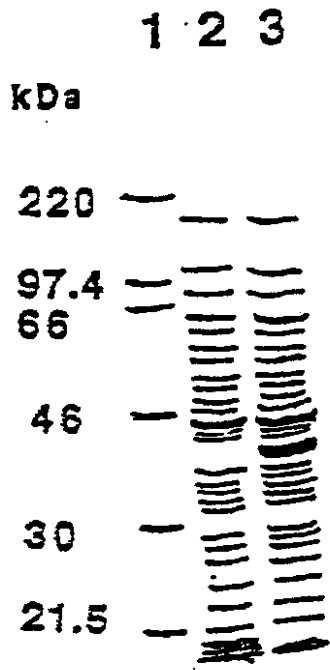
【 図 13 】



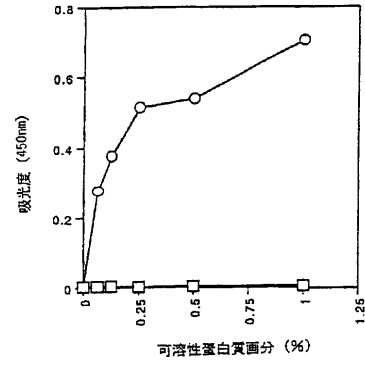
【 図 12 】



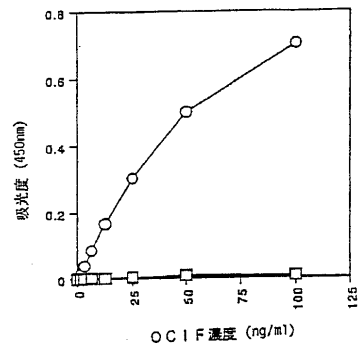
【 14 】



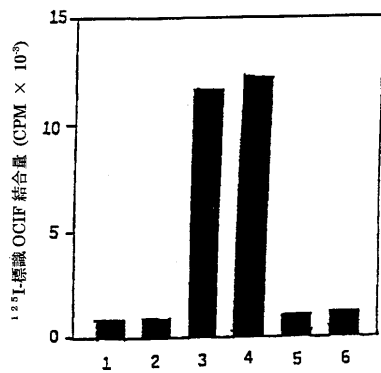
【 15 】



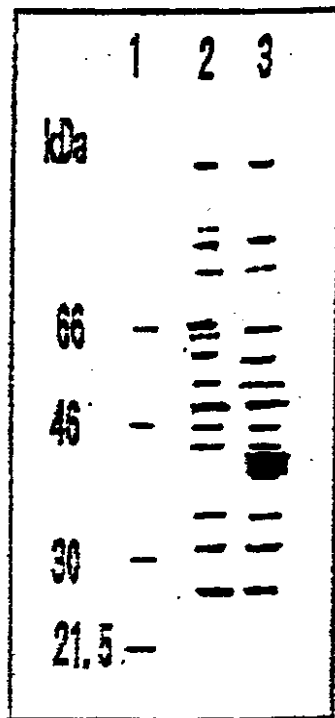
【 16 】



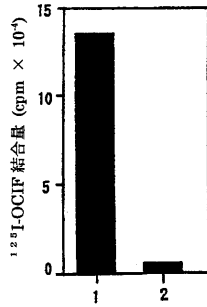
【 17 】



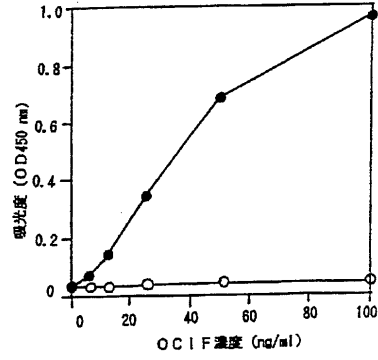
【 18 】



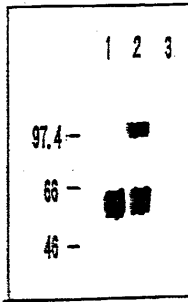
【 図 19 】



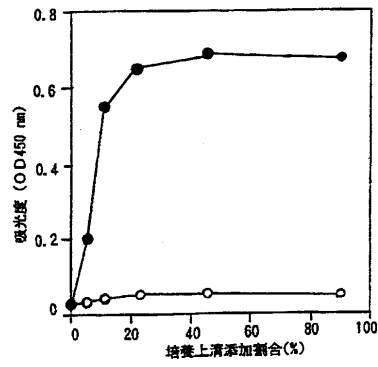
【 図 21 】



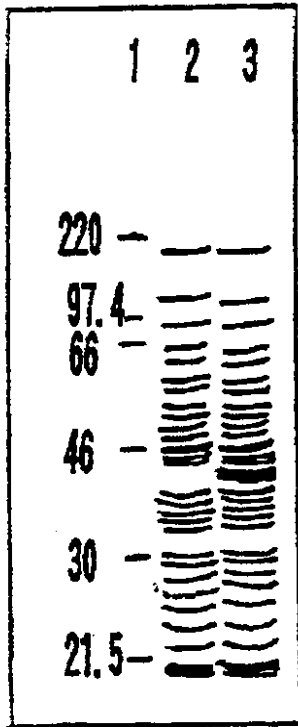
【 図 20 】



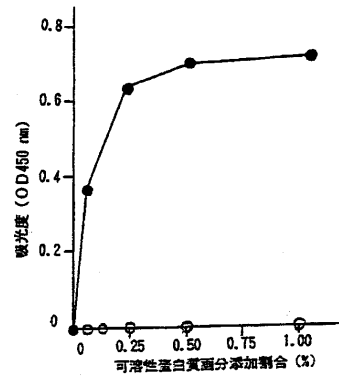
【 図 22 】



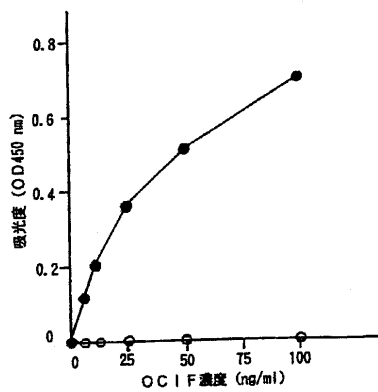
【 図 23 】



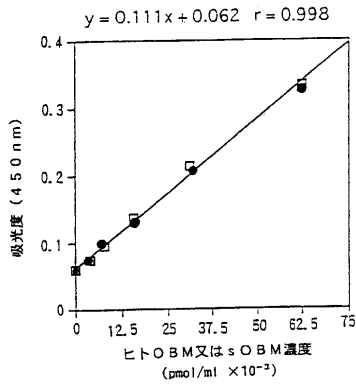
【 図 24 】



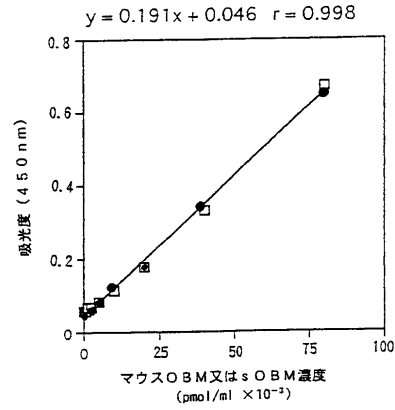
【 図 25 】



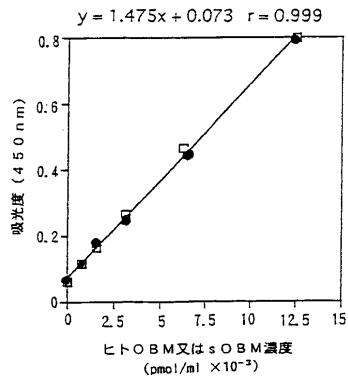
【 図 2 6 】



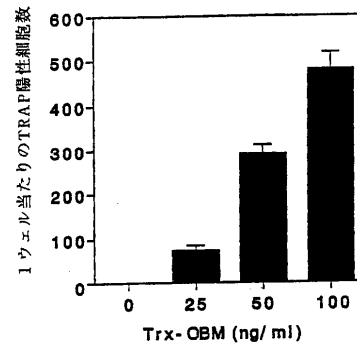
【 図 2 8 】



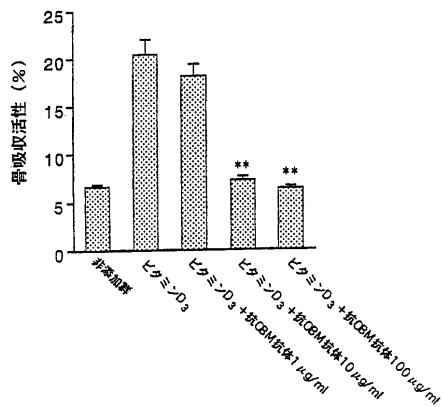
【 図 2 7 】



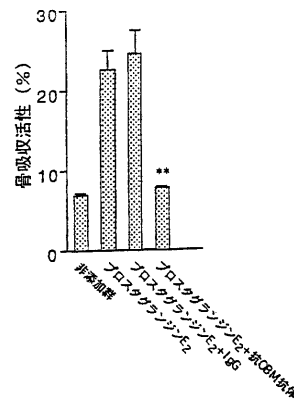
【 図 2 9 】



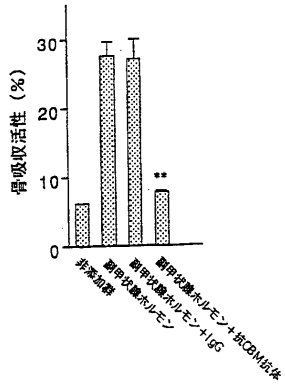
【 図 3 0 】



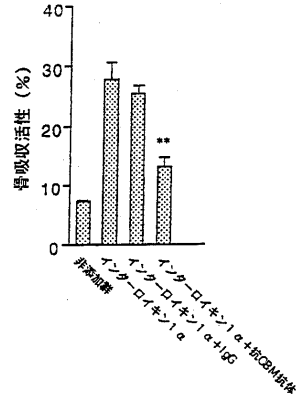
【 図 3 1 】



【 図 3 2 】



【 図 3 3 】



## フロントページの続き

(51) Int.Cl.		F I	
C 0 7 K 14/47	(2006.01)	C 0 7 K 14/47	
C 1 2 N 5/10	(2006.01)	C 1 2 N 5/00	B
C 1 2 R 1/91	(2006.01)	C 1 2 R 1:91	

(31)優先権主張番号 特願平9-224803  
 (32)優先日 平成9年8月21日(1997.8.21)  
 (33)優先権主張国 日本国(JP)  
 (31)優先権主張番号 特願平9-332241  
 (32)優先日 平成9年12月2日(1997.12.2)  
 (33)優先権主張国 日本国(JP)

微生物の受託番号 FERM BP-6264  
 微生物の受託番号 FERM BP-6265  
 微生物の受託番号 FERM BP-6266

(72)発明者 中川 信明  
 栃木県下都賀郡石橋町石橋578-15 西浦ハイツ2-4  
 (72)発明者 島 伸行  
 栃木県河内郡南河内町緑4-17-28  
 (72)発明者 木野崎 雅彦  
 栃木県河内郡上三川町ゆうきが丘53-8  
 (72)発明者 津田 英資  
 栃木県河内郡南河内町祇園2-13-1 ダイアパレス 自治医大5番館407  
 (72)発明者 後藤 雅昭  
 栃木県下都賀郡石橋町下古山456-1  
 (72)発明者 矢野 和樹  
 栃木県下都賀郡石橋町石橋578-15 西浦ハイツ3-1  
 (72)発明者 友保 昌拓  
 栃木県下都賀郡石橋町大松山1-3-3E SKマンション  
 (72)発明者 小林 文枝  
 栃木県河内郡河内町下岡本3777-4  
 (72)発明者 鷺田 尚洋  
 栃木県下都賀郡石橋町花の木3-4-12  
 (72)発明者 高橋 研  
 栃木県下都賀郡石橋町石橋578-15 西浦ハイツ1-4  
 (72)発明者 森永 伴法  
 栃木県下都賀郡壬生町幸町3-11-12  
 (72)発明者 東尾 侃二  
 埼玉県川越市山田1769-10

審査官 小暮 道明

(56)参考文献 Biochem.Biophys.Res.Comm., 234(1997.05.08) p.137-142  
 Nature, 390(1997.11.18) p.175-179  
 J.Biol.Chem., 272[40](1997.10.3) p.25190-25194  
 Proc.NatI.Acad.Sci.USA, 95(1998.03) p.3597-3602

(58)調査した分野(Int.Cl. , D B名)

C07K 1/00-19/00

C12N 15/00-15/90

PubMed

BIOSIS/WPI (DIALOG)

GenBank/EMBL/DDBJ/GeneSeq

SwissProt/PIR/Geneseq