(19) 대한민국특허청(KR)
(12) 공개특허공보(A)

(11) 공개번호 10-2022-0007056
(43) 공개일자 2022년01월18일

(51) 국제특허분류(Int. Cl.)
C07K 14/005 (2006.01) *A61K 48/00* (2006.01)
A61P 1/16 (2006.01) *A61P 25/00* (2006.01)
C12N 15/86 (2006.01)
(52) CPC특허분류
C07K 14/005 (2013.01)
A61K 48/00 (2013.01)
(21) 출원번호 10-2021-7036564
(22) 출원일자(국제) 2020년04월10일
심사청구일자 없음
(85) 번역문제출일자 2021년11월09일
(86) 국제출원번호 PCT/US2020/027708
(87) 국제공개번호 WO 2020/210655
국제공개일자 2020년10월15일
(30) 우선권주장
62/832,826 2019년04월11일 미국(US)

(71) 출원인
캘리포니아 인스티튜트 오브 테크놀로지
미국 91125 캘리포니아주 파사데나 이. 캘리포니아 블러바드 1200 엠/씨 6-32
(72) 발명자
그라디나루, 비비아나
미국 91125 캘리포니아주 패서디나 캘리포니아 불르바드 1200 이.
쿠마르, 스리피리야, 라빈드라
미국 91125 캘리포니아주 패서디나 캘리포니아 불르바드 1200 이.
데버맨, 벤자민
미국 91125 캘리포니아주 패서디나 캘리포니아 불르바드 1200 이.
(74) 대리인
양영준, 김영

전체 청구항 수 : 총 50 항

(54) 발명의 명칭 **뇌에서 증진된 특이성을 갖는 바이러스 조성물**

(57) 요 약

예를 들어, 뇌 및 간에 대한 표적화된 세포-유형에서 바이러스 형질도입의 증가된 특이성 및 효율을 나타내는 향성을 갖는 재조합 아데노-연관 바이러스 (rAAV)를 포함하는 조성물 및 키트가 제공된다. 제한 없이 멀티플렉스화 Cre 재조합-기반 AAV 표적화된 진화 (M-CREATE) 방법을 사용하여 rAAV를 발견하는 방법, 및 rAAV-매개 트랜스진 요법에 의해 다양한 질환 및 병태를 치료하는 방법을 포함한, rAAV의 치료 및 생의학적 연구 적용이 또한 기재된다.

(52) CPC특허분류
A61P 1/16 (2018.01)
A61P 25/00 (2018.01)
C12N 15/86 (2013.01)
C12N 2750/14122 (2013.01)
C12N 2750/14143 (2013.01)

명 세 서

청구범위

청구항 1

하기를 포함하는 AAV 캡시드로서:

a) 하기를 포함하는 AAV 캡시드 단백질:

i. 서열식별번호: 1의 아미노산 217 내지 아미노산 736과 적어도 98% 동일한 제1 아미노산 서열; 및

ii. 서열식별번호: 1 내의 아미노산 위치 588_589에 삽입된 표 2 내지 3 또는 도 33에 제공된 아미노산 서열과 적어도 57.1% 동일한 제2 아미노산 서열,

여기서 AAV 캡시드 단백질은, 서열식별번호: 1에 제공된 천연 AAV 캡시드 단백질에 비해, 대상체에게 전신적으로 전달되는 경우에 대상체에서 중추 신경계 (CNS)에서 측정 시 증가된 특이성 및 증가된 형질도입 효율 중 적어도 하나를 특징으로 하는 것인

AAV 캡시드.

청구항 2

제1항에 있어서, 제2 아미노산 서열이 표 2 내지 3 또는 도 33에 제공된 아미노산 서열과 적어도 71.4% 동일한 것인 AAV 캡시드.

청구항 3

제1항에 있어서, 제2 아미노산 서열이 표 2 내지 3 또는 도 33에 제공된 아미노산 서열과 적어도 86.7% 동일한 것인 AAV 캡시드.

청구항 4

제1항에 있어서, 제2 아미노산 서열이 TALKPFL, TTLKPFL, TLQIPFK, TMQKPFI, SIERPFK, RYQGDSV, 및 TTLKPFS로 이루어진 군으로부터 선택되는 것인 AAV 캡시드.

청구항 5

제1항에 있어서, AAV 캡시드 단백질이 AAV 캡시드의 VP1, VP2, 및 VP3에 존재하는 것인 AAV 캡시드.

청구항 6

제1항에 있어서, AAV 캡시드가 키메라인 AAV 캡시드.

청구항 7

제1항에 있어서, AAV 캡시드 단백질의 60개 카피가 AAV 캡시드 내로 어셈블리되는 것인 AAV 캡시드.

청구항 8

제1항에 있어서, CNS가 뉴런, 핍지교세포, 성상세포, 및 뇌 혈관 세포로 이루어진 군으로부터 선택되는 세포-유형을 포함하는 것인 AAV 캡시드 단백질.

청구항 9

제1항에 있어서, CNS가 뇌, 시상, 피질, 선조체, 복측 중뇌, 및 척수로 이루어진 군으로부터 선택되는 조직을 포함하는 것인 AAV 캡시드.

청구항 10

제1항에 있어서, AAV 캡시드 단백질이 아미노산 치환 A587D 또는 Q588G를 추가로 포함하는 것인 AAV 캡시드.

청구항 11

제1항에 있어서, AAV 캡시드 단백질이 아미노산 치환 A589N 또는 Q590P를 추가로 포함하는 것인 AAV 캡시드 단백질.

청구항 12

제1항에 있어서, 서열식별번호: 1 내의 아미노산 위치 588_589에서의 제2 아미노산 서열이 TLAVPFK, KFPVALT, SVSKPFL, FTLTTPK, MNATKNV, NGGTSSS, TRTNPEA, 또는 YTLSQGW가 아닌 것인 AAV 캡시드.

청구항 13

제1항에 있어서, 단리되고 정제된 AAV 캡시드.

청구항 14

제1항에 있어서, CNS의 질환 또는 병태를 치료하기 위한 정맥내 투여를 위한 제약 제제로서 제제화되며, 제약 제제는 제약상 허용되는 담체를 추가로 포함하는 것인 AAV 캡시드.

청구항 15

제14항에 있어서, 제약 제제가 치료제를 추가로 포함하는 것인 AAV 캡시드.

청구항 16

서열식별번호: 1에 제공된 AAV 캡시드 단백질의 아미노산 서열에서 아미노산 588 및 아미노산 589 사이에 7-아미노산 삽입 (X1-X2-X3-X4-X5-X6-X7)을 포함하는 AAV 캡시드 단백질을 포함하는 AAV 캡시드로서, 여기서:

X1은 E, D, G, R, S 및 T로 이루어진 군으로부터 선택되는 아미노산이고;

X2는 A, G, I, L, M, N, Q, T, 및 Y로 이루어진 군으로부터 선택되는 아미노산이고;

X3은 E, K, L, T, 및 Q로 이루어진 군으로부터 선택되는 아미노산이고;

X4는 G, I, K, L, R, T, 및 V로 이루어진 군으로부터 선택되는 아미노산인

AAV 캡시드.

청구항 17

제16항에 있어서, X5가 A, D, G, P, L, Q, 및 V로 이루어진 군으로부터 선택되는 아미노산인 AAV 캡시드 단백질.

청구항 18

제17항에 있어서, X6이 F, K, N, P, Q, S, 및 V로 이루어진 군으로부터 선택되는 아미노산인 AAV 캡시드 단백질.

청구항 19

제18항에 있어서, X7이 I, K, L, P, 및 V로 이루어진 군으로부터 선택되는 아미노산인 AAV 캡시드 단백질.

청구항 20

제16항에 있어서, 7-아미노산 삽입이 TALKPFL, TTLKPFL, TLQIPFK, TMQKPFI, SIERPFK, RYQGDSV, 및 TTLKPFS로 이루어진 군으로부터 선택되는 것인 AAV 캡시드.

청구항 21

제16항에 있어서, AAV 캡시드 단백질이 AAV 캡시드의 VP1, VP2, 및 VP3에 존재하는 것인 AAV 캡시드.

청구항 22

제16항에 있어서, AAV 캡시드가 키메라인 AAV 캡시드.

청구항 23

제16항에 있어서, AAV 캡시드 단백질의 60개 카피가 AAV 캡시드 내로 어셈블리되는 것인 AAV 캡시드.

청구항 24

제16항에 있어서, AAV 캡시드 단백질이, 서열식별번호: 1에 제공된 천연 AAV 캡시드 단백질에 비해, 대상체에게 전신적으로 전달되는 경우에 대상체에서 중추 신경계 (CNS)에서 측정 시 증가된 특이성 및 증가된 형질도입 효율 중 적어도 하나를 특징으로 하는 것인 AAV 캡시드.

청구항 25

제24항에 있어서, CNS가 뉴런, 아교 세포, 핍지교세포, 상의 세포, 성상세포, 슈반 세포, 위성 세포, 및 장 아교 세포로 이루어진 군으로부터 선택되는 세포-유형을 포함하는 것인 AAV 캡시드 단백질.

청구항 26

제24항에 있어서, CNS가 뇌, 시상, 피질, 선조체, 복측 중뇌, 및 척수로 이루어진 군으로부터 선택되는 조직을 포함하는 것인 AAV 캡시드.

청구항 27

제16항에 있어서, AAV 캡시드 단백질이 A587D 또는 Q588G를 포함하는 아미노산 치환을 추가로 포함하는 것인 AAV 캡시드.

청구항 28

제16항에 있어서, AAV 캡시드 단백질이 A589N 또는 Q590P를 포함하는 아미노산 치환을 추가로 포함하는 것인 AAV 캡시드 단백질.

청구항 29

제16항에 있어서, 7-아미노산 삽입이 TLAVPFK, KFPVALT, SVSKPFL, FTLTTPK, MNATKNV, NGGTSSS, TRTNPEA, 또는 YTLSQGW가 아닌 것인 AAV 캡시드.

청구항 30

제16항에 있어서, 단리되고 정제된 AAV 캡시드.

청구항 31

제16항에 있어서, CNS의 질환 또는 병태를 치료하기 위한 정맥내 투여를 위한 제약 제제로서 제제화되며, 제약 제제는 제약상 허용되는 담체를 추가로 포함하는 것인 AAV 캡시드.

청구항 32

제31항에 있어서, 제약 제제가 치료제를 추가로 포함하는 것인 AAV 캡시드.

청구항 33

하기를 포함하는 AAV 캡시드로서:

a) 하기를 포함하는 AAV 캡시드 단백질:

i. 서열식별번호: 1의 아미노산 217 내지 아미노산 736과 적어도 98% 동일한 제1 아미노산 서열; 및

ii. 서열식별번호: 1 내의 아미노산 위치 588_589에 표 4 또는 도 35에 제공된 아미노산 서열과 적어도 57.1% 동일한 제2 아미노산 서열,

여기서 AAV 캡시드 단백질은, 서열식별번호: 1에 제공된 천연 AAV 캡시드 단백질에 비해, 대상체에게 전신적으로 전달되는 경우에 대상체에서 간에서 측정 시 증가된 특이성 및 증가된 형질도입 효율 중 적어도 하나를 특징

으로 하는 것인

AAV 캡시드.

청구항 34

제33항에 있어서, 제2 아미노산 서열이 표 4 또는 도 35에 제공된 아미노산 서열과 적어도 71.4% 동일한 것인 AAV 캡시드.

청구항 35

제33항에 있어서, 제2 아미노산 서열이 표 4 또는 도 35에 제공된 아미노산 서열과 적어도 86.7% 동일한 것인 AAV 캡시드.

청구항 36

제33항에 있어서, 제2 아미노산 서열이 KAYSVQV, PSGSARS, 및 RTANALG로 이루어진 군으로부터 선택되는 것인 AAV 캡시드.

청구항 37

제33항에 있어서, AAV 캡시드 단백질이 AAV 캡시드의 VP1, VP2, 및 VP3에 존재하는 것인 AAV 캡시드.

청구항 38

제33항에 있어서, AAV 캡시드가 키메라인 AAV 캡시드.

청구항 39

제33항에 있어서, AAV 캡시드 단백질의 60개 카피가 AAV 캡시드 내로 어셈블리되는 것인 AAV 캡시드.

청구항 40

제33항에 있어서, 단리되고 정제된 AAV 캡시드.

청구항 41

제33항에 있어서, 간의 질환 또는 병태를 치료하기 위한 정맥내 투여를 위한 제약 제제로서 제제화되며, 제약 제제는 제약상 허용되는 담체를 추가로 포함하는 것인 AAV 캡시드.

청구항 42

제41항에 있어서, 제약 제제가 치료제를 추가로 포함하는 것인 AAV 캡시드.

청구항 43

제1항 내지 제42항 중 어느 한 항의 AAV 캡시드 단백질을 코딩하는 핵산을 포함하는 재조합 벡터.

청구항 44

하기를 포함하는 키트:

a) 제43항의 재조합 벡터를 포함하는 제1 벡터;

b) 헬퍼 바이러스 단백질을 코딩하는 제2 벡터; 및

c) 치료 유전자 발현 산물을 코딩하는 치료 핵산을 포함하는 제3 벡터.

청구항 45

제1항 내지 제42항 중 어느 한 항의 AAV 캡시드 단백질을 포함하는 제약 제제의 치료 유효량을 투여하는 것을 포함하는, 대상체에서 질환 또는 병태를 치료하는 방법.

청구항 46

제45항에 있어서, 질환 또는 병태가 대상체의 중추 신경계 또는 간의 질환 또는 병태인 방법.

청구항 47

하기 단계를 포함하는, 제1항 내지 제42항 중 어느 한 항의 AAV 캡시드로부터 재조합 AAV 입자를 제조하는 방법:

a) 하기를 포함하는 핵산을 세포 내로 도입하는 단계:

i. 치료 유전자 발현 산물을 코딩하는 제1 핵산 서열;

ii. 제1항 내지 제42항 중 어느 한 항의 AAV 캡시드를 발현하도록 변형된 캡시드 (*Cap*) 유전자를 포함하는 재조합 바이러스 게놈을 코딩하는 제2 핵산 서열; 및

iii. AAV 헬퍼 바이러스 게놈을 코딩하는 제3 핵산 서열; 및

b) 재조합 AAV 입자를 어셈블리하는 단계로서, 재조합 AAV 입자는 제1 핵산을 캡시드화하는 AAV 캡시드를 포함하는 것인 단계.

청구항 48

하기 단계를 포함하는, 재조합 AAV 입자를 제조하는 방법:

a) 하기를 포함하는 재조합 AAV 게놈을 제공하는 단계:

i. AAV 캡시드 유전자, 및

ii. Cre 리콤비나제에 대한 인식 서열로서, 여기서 인식 서열은 검출가능한 리콤비나제-의존성 변화를 용이하게 하고, 여기서 리콤비나제 인식 서열은 2개의 Cre-인식 부위를 포함하는 것인 인식 서열;

b) Cre 리콤비나제를 발현하는 세포의 집단을 재조합 AAV 게놈으로 형질감염시키고, 그에 의해 Cre 리콤비나제가 재조합 이벤트를 유도하여 재조합 AAV 게놈에서 리콤비나제-의존성 변화를 생성하는 단계로서, 여기서 리콤비나제-의존성 변화는 Cre-인식 부위에 의해 플랭킹된 서열의 역전을 포함하는 것인 단계;

c) 세포의 집단에서 표적 세포의 리콤비나제-의존성 변화의 증가된 비율을 검출하는 단계;

d) 세포의 집단에서 오프-표적 세포의 리콤비나제-의존성 변화의 감소된 비율을 검출하는 단계; 및

e) 리콤비나제-의존성 변화에 의해 생성된 재조합 AAV 게놈을 확인하는 단계로서, 여기서 상기 확인된 rAAV 게놈은 역전을 포함하고, 여기서 상기 확인된 재조합 AAV 게놈은 표적 세포에 대한 증가된 특이성 및 오프-표적 세포에 대한 감소된 특이성을 갖는 것을 특징으로 하는 AAV 캡시드 입자를 코딩하는 것인 단계.

청구항 49

제48항에 있어서, 오프-표적 세포가 간세포인 방법.

청구항 50

제48항에 있어서, 표적 세포가 뉴런, 아교 세포, 핍지교세포, 상의 세포, 성상세포, 슈반 세포, 위성 세포, 및 장 아교 세포로 이루어진 군으로부터 선택되는 세포인 방법.

발명의 설명

기 술 분 야

[0001] **관련 출원**

[0002] 본 출원은 2019년 4월 11일에 출원된 미국 가특허 출원 일련 번호 62/832,836에 대해 우선권 주장하며, 그의 내용은 그 전문이 본원에 포함된다.

[0003] **연방정부 지원된 연구에 대한 진술**

[0004] 본 발명은 미국 국립 보건원에 의해 수여된 NS087949, MH117069, 및 OD025535 하에 정부 지원으로 이루어졌다. 정부는 본 발명에서 특정 권리를 갖는다.

발명의 내용

[0005] 재조합 아데노-연관 바이러스 (rAAV)는 분열 및 비-분열 세포 둘 다를 형질도입하는 그들의 능력, 감염된 세포에서 에피솜 DNA로서의 그들의 장기 존속, 및 그들의 낮은 면역원성 때문에 기초 과학 연구 및 치료 적용에서 유전자 전달을 위한 벡터로서 폭넓게 사용된다. 이들 특징은 이들을 기초 과학 및 임상, 예컨대 유전자 요법 둘 다에서의 적용을 위해 매력적으로 만든다. 그러나, 대상체에의 전신 전달 시, 별개의 뇌 세포-유형을 특이적으로 표적화하는 기존의 혈청형의 성능을 유의하게 개선시킬 필요가 있다. 이 필요는 특히 AAV가 혈액 뇌 장벽 (BBB)을 가로질러 중추 신경계 (CNS)에 도달해야 하는 경우 시급하다.

[0006] 기존의 AAV 혈청형의 전신 전달은 다른 것들에서 특정 세포 유형 및 기관의 제한된 형질도입, 및 비-특이적 중첩 향성을 나타낸다. 이는 영향을 받지 않은 기관 및 세포 유형 (특히, 간)의 형질도입으로 인한 오프-표적 효과, 및 관심의 조직 또는 기관에서 충분한 치료 수준을 달성하는 보다 많은 바이러스 투여량에 대한 필요성을 포함하나 이에 제한되지는 않는 유전자 요법 적용에서의 몇몇 문제를 초래한다.

[0007] CNS에서 측정 시 증가된 특이성 및 형질도입 효율, 및 일부 경우에, 간과 같은 오프-표적 환경에서 감소된 특이성 및 형질도입 효율을 갖는 향성을 갖는 변이체를 산출하는, 양성 및 음성 선택의 반복적 라운드를 통한 캡시드 구조 내로의 조작된 특이성을 갖는 rAAV가 본원에 개시된다. 본원에 기재된 rAAV는 전신 전달 (예를 들어, 정맥내 주사) 시 대상체에서 표적 환경 (예를 들어, 표적 세포 유형 또는 조직)에 대한 광범위한 형질도입을 달성한다.

[0008] 또한, 멀티플렉스화 Cre 재조합-기반 AAV 표적화된 진화 (M-CREATE) 방법을 사용하여 본 개시내용의 rAAV를 조작하는 방법이 제공된다. M-CREATE 방법은 (1) 캡시드 단백질 서열에서 변이를 도입하는 것, (2) 단지 한정된 세포 집단으로 이동하는 변이체의 생체내 비편향된 선택 및 회수, (3) 세포 막을 횡단함, (4) 핵으로 이동함, 및 (5) 그들의 유전자 투여량을 언패키징하고 발현함으로써 증진된 형질도입 효율 및/또는 특이성을 생성한다. 가장 바람직한 향성 (예를 들어, 특정 생체내 환경에 대한 증진된 효율 및 특이성)을 나타내는 변이체 캡시드가 딥 시퀀싱에 의해 회수되고 확인된다. 비편향된 선택 및 분석을 위한 전략은 변이체의 풍부화 점수 (표적 조직 라이브러리를 출발 바이러스 라이브러리에 대해 정규화함으로써) 및 합성 라이브러리 구축 (각각의 변이체는 동등하게 나타내어짐)을 통한 선택의 라운드 사이의 비편향된 전파를 결정하는 것을 포함한다. 또한, 표적을 향한 변이체의 선택에 대한 유용한 통찰을 제공하는 시퀀싱 데이터로부터의 생성된 라이브러리의 상세한 특징규명이 개시된다.

[0009] M-CREATE를 사용하여 생성된 AAV 캡시드 라이브러리가 본원에 개시된다. 제1 라이브러리, 즉, AAV9에서의 7-mer 펩티드 삽입 (7-*mer-i* 라이브러리)을 상이한 뇌 세포 유형 - 내피 세포, 뉴런, 및 성상세포 -에 걸쳐 평행 생체내 선택을 위해 수립하였으며, 혈액-뇌 장벽 (BBB)을 표적화할 뿐만 아니라 이를 횡단하는 및 중추 신경계 (CNS)를 폭넓게 형질도입하는 증진된 능력을 갖는 AAV9 변이체의 대형 풀을 산출하였다. 제2 라이브러리, 즉, AAV-PHP.B에서의 3-mer 펩티드 치환 (3-*mer-s* 라이브러리)을 딥 시퀀싱을 혼입하여 캡시드를 회수함으로써 재조사하였다. 보다 큰 특이성으로 CNS 뉴런을 형질도입하는 변이체를 포함하는 AAV-PHP.B 변이체의 풀이 발견되었다. 본 개시내용의 rAAV는 혈액-뇌 장벽의 내피 세포, 중추 신경계에서 상이한 세포 유형을 폭넓게 형질도입할 수 있는 변이체, 및 형질도입 뉴런을 향한 보다 큰 특이성을 나타내는 변이체를 효율적으로 표적화할 수 있다.

[0010] 본원에 개시된 측면은 (a) (i) 서열식별번호(SEQ ID NO): 1의 아미노산 217 내지 아미노산 736과 적어도 98% 동일한 제1 아미노산 서열; 및 (ii) 서열식별번호: 1 내의 아미노산 위치 588_589에 삽입된 **표 2 내지 3** 또는 **도 33**에 제공된 아미노산 서열과 적어도 57.1% 동일한 제2 아미노산 서열을 포함하는 AAV 캡시드 단백질로서, 여기서 AAV 캡시드 단백질은, 서열식별번호: 1에 제공된 천연 AAV 캡시드 단백질에 비해, 대상체에게 전신적으로 전달되는 경우에 대상체에서 중추 신경계 (CNS)에서 측정 시 증가된 특이성 및 증가된 형질도입 효율 중 적어도 하나를 특징으로 하는 것인 AAV 캡시드 단백질을 포함하는 **AAV 캡시드**를 제공한다. 일부 실시양태에서, 제2 아미노산 서열은 **표 2 내지 3** 또는 **도 33**에 제공된 아미노산 서열과 적어도 71.4% 동일하다. 일부 실시양태에서, 제2 아미노산 서열은 **표 2 내지 3** 또는 **도 33**에 제공된 아미노산 서열과 적어도 86.7% 동일하다. 일부 실시양태에서, 제2 아미노산 서열은 TALKPFL, TTLKPFL, TLQIPFK, TMQKPFI, SIERPFK, RYQGDSV, 및 TTLKPFS로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 AAV 캡시드의 VP1, VP2, 및 VP3에 존재한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드는 키메라이다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질의 60개 카피는 AAV 캡시드 내로 어셈블리된다. 일부 실시양태에서, CNS는 뉴런, 핍지교세포, 성상세포, 및 뇌 혈관 세포로 이루어진 군으로부터 선택되는 세포-유형을 포함한다. 일부 실시양태에서, CNS는 뇌, 시상, 피질, 선조체, 복측 중뇌, 및 척수로 이루어진 군으로부터 선택되는 조직을 포함한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 아미노산

치환 A587D를 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 아미노산 치환 Q588G를 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 A589N을 포함하는 아미노산 치환을 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 Q590P를 포함하는 아미노산 치환을 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, 서열식별번호: 1 내의 아미노산 위치 588_589에서의 제2 아미노산 서열은 TLAVPFK, KFPVALT, SVSKPFL, FTLTTPK, MNATKNV, NGGTSSS, TRTNPEA, 또는 YTLSQGW가 아니다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드는 단리되고 정제된다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드는 간의 질환 또는 병태를 치료하기 위한 정맥내 투여를 위한 제약 제제로서 제제화되며, 상기 제약 제제는 제약상 허용되는 담체를 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, 제약 제제는 치료제를 추가로 포함한다.

[0011] 본원에 개시된 측면은 서열식별번호: 1에 제공된 AAV 캡시드 단백질의 아미노산 서열에서 아미노산 588 및 아미노산 589 사이에 7 아미노산 삽입 (X1-X2-X3-X4-X5-X6-X7)을 포함하는 AAV 캡시드 단백질을 포함하는 **AAV 캡시드**를 제공하며, 여기서 X1은 E, D, G, R, S 및 T로 이루어진 군으로부터 선택되는 아미노산이다. 일부 실시양태에서, X2는 A, G, I, L, M, N, Q, T, 및 Y로 이루어진 군으로부터 선택되는 아미노산이다. 일부 실시양태에서, X3은 E, K, L, T, 및 Q로 이루어진 군으로부터 선택되는 아미노산이다. 일부 실시양태에서, X4는 G, I, K, L, R, T, 및 V로 이루어진 군으로부터 선택되는 아미노산이다. 일부 실시양태에서, X5는 A, D, G, P, L, Q, 및 V로 이루어진 군으로부터 선택되는 아미노산이다. 일부 실시양태에서, X6은 F, K, N, P, Q, S, 및 V로 이루어진 군으로부터 선택되는 아미노산이다. 일부 실시양태에서, X7은 I, K, L, P, 및 V로 이루어진 군으로부터 선택되는 아미노산이다. 일부 실시양태에서, 7 아미노산 삽입은 TALKPFL, TTLKPFL, TLQIPFK, TMQKPFI, SIERPFK, RYQGDSV, 및 TTLKPFS로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 AAV 캡시드의 VP1, VP2, 및 VP3에 존재한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드는 키메라이다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질의 60개 카피는 AAV 캡시드 내로 어셈블리된다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은, 서열식별번호: 1에 제공된 천연 AAV 캡시드 단백질에 비해, 대상체에게 전신적으로 전달되는 경우에 대상체에서 중추 신경계 (CNS)에서 측정 시 증가된 특이성 및 증가된 형질도입 효율 중 적어도 하나를 특징으로 한다. 일부 실시양태에서, CNS는 뉴런, 아교 세포, 핍지교세포, 상의 세포, 성상세포, 슈반 세포, 위성 세포, 및 장 아교 세포로 이루어진 군으로부터 선택되는 세포-유형을 포함한다. 일부 실시양태에서, CNS는 뇌, 시상, 피질, 선조체, 복측 중뇌, 및 척수로 이루어진 군으로부터 선택되는 조직을 포함한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 A587D를 포함하는 아미노산 치환을 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 Q588G를 포함하는 아미노산 치환을 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 A589N을 포함하는 아미노산 치환을 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 Q590P를 포함하는 아미노산 치환을 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, 7 아미노산 삽입은 TLAVPFK, KFPVALT, SVSKPFL, FTLTTPK, MNATKNV, NGGTSSS, TRTNPEA, 또는 YTLSQGW가 아니다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드는 단리되고 정제된다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드는 간의 질환 또는 병태를 치료하기 위한 정맥내 투여를 위한 제약 제제로서 제제화되며, 상기 제약 제제는 제약상 허용되는 담체를 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, 제약 제제는 치료제를 추가로 포함한다.

[0012] 본원에 제공된 측면은 (a) (i) 서열식별번호: 1의 아미노산 217 내지 아미노산 736과 적어도 98% 동일한 제1 아미노산 서열; 및 (ii) 서열식별번호: 1 내의 아미노산 위치 588_589에 **표 4** 또는 **도 35**에 제공된 아미노산 서열과 적어도 57.1% 동일한 제2 아미노산 서열을 포함하는 AAV 캡시드 단백질로서, 여기서 AAV 캡시드 단백질은, 서열식별번호: 1에 제공된 천연 AAV 캡시드 단백질에 비해, 대상체에게 전신적으로 전달되는 경우에 대상체에서 간에서 측정 시 증가된 특이성 및 증가된 형질도입 효율 중 적어도 하나를 특징으로 하는 것인 AAV 캡시드 단백질을 포함하는 **AAV 캡시드**를 제공한다. 일부 실시양태에서, 제2 아미노산 서열은 **표 4** 또는 **도 35**에 제공된 아미노산 서열과 적어도 71.4% 동일하다. 일부 실시양태에서, 제2 아미노산 서열은 **표 4** 또는 **도 35**에 제공된 아미노산 서열과 적어도 86.7% 동일하다. 일부 실시양태에서, 제2 아미노산 서열은 KAYSVQV, PSGSARS, 및 RTANALG로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 AAV 캡시드의 VP1, VP2, 및 VP3에 존재한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드는 키메라이다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질의 60개 카피는 AAV 캡시드 내로 어셈블리된다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드는 단리되고 정제된다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드는 간의 질환 또는 병태를 치료하기 위한 정맥내 투여를 위한 제약 제제로서 제제화되며, 상기 제약 제제는 제약상 허용되는 담체를 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, 제약 제제는 치료제를 추가로 포함한다.

[0013] 본원에 개시된 측면은 (i) 서열식별번호: 1의 아미노산 217 내지 아미노산 736과 적어도 98% 동일한 제1 아미노산 서열; 및 (ii) 서열식별번호: 1 내의 아미노산 위치 588_589에 삽입된 **표 2 내지 3** 또는 **도 33**에 제공된 아미노산 서열과 적어도 57.1% 동일한 제2 아미노산 서열을 포함하는 **AAV 캡시드 단백질**을 제공하며, 여기서 AAV

캡시드 단백질은, 서열식별번호: 1에 제공된 천연 AAV 캡시드 단백질에 비해, 대상체에게 전신적으로 전달되는 경우에 대상체에서 중추 신경계 (CNS)에서 측정 시 증가된 특이성 및 증가된 형질도입 효율 중 적어도 하나를 특징으로 한다. 일부 실시양태에서, 제2 아미노산 서열은 **표 2 내지 3** 또는 **도 33**에 제공된 아미노산 서열과 적어도 71.4% 동일하다. 일부 실시양태에서, 제2 아미노산 서열은 **표 2 내지 3** 또는 **도 33**에 제공된 아미노산 서열과 적어도 86.7% 동일하다. 일부 실시양태에서, 제2 아미노산 서열은 TALKPFL, TTLKPFL, TLQIPFK, TMQKPFI, SIERPFK, RYQGDSV, 및 TTLKPFS로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 AAV 캡시드의 VP1, VP2, 및 VP3에 존재한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드는 키메라이다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질의 60개 카피는 AAV 캡시드 내로 어셈블리된다. 일부 실시양태에서, CNS는 뉴런, 핍지교세포, 성상세포, 및 뇌 혈관 세포로 이루어진 군으로부터 선택되는 세포-유형을 포함한다. 일부 실시양태에서, CNS는 뇌, 시상, 피질, 선조체, 복측 중뇌, 및 척수로 이루어진 군으로부터 선택되는 조직을 포함한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 아미노산 치환 A587D를 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 아미노산 치환 Q588G를 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 A589N을 포함하는 아미노산 치환을 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 Q590P를 포함하는 아미노산 치환을 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, 서열식별번호: 1 내의 아미노산 위치 588_589에서의 제2 아미노산 서열은 TLAVPFK, KFPVALT, SVSKPFL, FTLTTPK, MNATKNV, NGGTSSS, TRTNPEA, 또는 YTLSQGW가 아니다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 단리되고 정제된다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 간의 질환 또는 병태를 치료하기 위한 정맥내 투여를 위한 제약 제제로서 제제화되며, 상기 제약 제제는 제약상 허용되는 담체를 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, 제약 제제는 치료제를 추가로 포함한다.

[0014] 본원에 개시된 측면은 서열식별번호: 1에 제공된 AAV 캡시드 단백질의 아미노산 서열에서 아미노산 588 및 아미노산 589 사이에 7 아미노산 삽입 (X1-X2-X3-X4-X5-X6-X7)을 포함하는 **AAV 캡시드 단백질**을 제공하며, 여기서 X1은 E, D, G, R, S 및 T로 이루어진 군으로부터 선택되는 아미노산이다. 일부 실시양태에서, X2는 A, G, I, L, M, N, Q, T, 및 Y로 이루어진 군으로부터 선택되는 아미노산이다. 일부 실시양태에서, X3은 E, K, L, T, 및 Q로 이루어진 군으로부터 선택되는 아미노산이다. 일부 실시양태에서, X4는 G, I, K, L, R, T, 및 V로 이루어진 군으로부터 선택되는 아미노산이다. 일부 실시양태에서, X5는 A, D, G, P, L, Q, 및 V로 이루어진 군으로부터 선택되는 아미노산이다. 일부 실시양태에서, X6은 F, K, N, P, Q, S, 및 V로 이루어진 군으로부터 선택되는 아미노산이다. 일부 실시양태에서, X7은 I, K, L, P, 및 V로 이루어진 군으로부터 선택되는 아미노산이다. 일부 실시양태에서, 7 아미노산 삽입은 TALKPFL, TTLKPFL, TLQIPFK, TMQKPFI, SIERPFK, RYQGDSV, 및 TTLKPFS로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 AAV 캡시드의 VP1, VP2, 및 VP3에 존재한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드는 키메라이다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질의 60개 카피는 AAV 캡시드 내로 어셈블리된다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은, 서열식별번호: 1에 제공된 천연 AAV 캡시드 단백질에 비해, 대상체에게 전신적으로 전달되는 경우에 대상체에서 중추 신경계 (CNS)에서 측정 시 증가된 특이성 및 증가된 형질도입 효율 중 적어도 하나를 특징으로 한다. 일부 실시양태에서, CNS는 뉴런, 아교세포, 핍지교세포, 상의 세포, 성상세포, 슈반 세포, 위성 세포, 및 장 아교 세포로 이루어진 군으로부터 선택되는 세포-유형을 포함한다. 일부 실시양태에서, CNS는 뇌, 시상, 피질, 선조체, 복측 중뇌, 및 척수로 이루어진 군으로부터 선택되는 조직을 포함한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 A587D를 포함하는 아미노산 치환을 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 Q588G를 포함하는 아미노산 치환을 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 A589N을 포함하는 아미노산 치환을 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 Q590P를 포함하는 아미노산 치환을 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, 7 아미노산 삽입은 TLAVPFK, KFPVALT, SVSKPFL, FTLTTPK, MNATKNV, NGGTSSS, TRTNPEA, 또는 YTLSQGW가 아니다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 단리되고 정제된다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 간의 질환 또는 병태를 치료하기 위한 정맥내 투여를 위한 제약 제제로서 제제화되며, 상기 제약 제제는 제약상 허용되는 담체를 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, 제약 제제는 치료제를 추가로 포함한다.

[0015] 본원에 제공된 측면은 (i) 서열식별번호: 1의 아미노산 217 내지 아미노산 736과 적어도 98% 동일한 제1 아미노산 서열; 및 (ii) 서열식별번호: 1 내의 아미노산 위치 588_589에 **표 4** 또는 **도 35**에 제공된 아미노산 서열과 적어도 57.1% 동일한 제2 아미노산 서열을 포함하는 **AAV 캡시드 단백질**을 제공하며, 여기서 AAV 캡시드 단백질은, 서열식별번호: 1에 제공된 천연 AAV 캡시드 단백질에 비해, 대상체에게 전신적으로 전달되는 경우에 대상체에서 간에서 측정 시 증가된 특이성 및 증가된 형질도입 효율 중 적어도 하나를 특징으로 한다. 일부 실시양태에서, 제2 아미노산 서열은 **표 4** 또는 **도 35**에 제공된 아미노산 서열과 적어도 71.4% 동일하다. 일부 실시양태에서, 제2 아미노산 서열은 **표 4** 또는 **도 35**에 제공된 아미노산 서열과 적어도 86.7% 동일하다. 일부 실시양태에서, 제2 아미노산 서열은 KAYSVQV, PSGSARS, 및 RTANALG로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 실시양태에

서, AAV 캡시드 단백질은 AAV 캡시드의 VP1, VP2, 및 VP3에 존재한다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드는 키메라이다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질의 60개 카피는 AAV 캡시드 내로 어셈블리된다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 단리되고 정제된다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 간의 질환 또는 병태를 치료하기 위한 정맥내 투여를 위한 제약 제제로서 제제화되며, 상기 제약 제제는 제약상 허용되는 담체를 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, 제약 제제는 치료제를 추가로 포함한다.

[0016] 본원에 개시된 측면은 본원에 기재된 AAV 캡시드 및 AAV 캡시드 단백질을 코딩하는 핵산 서열을 포함하는 **플라스미드 벡터**를 포함한다. 일부 경우에, 플라스미드 벡터는 박테리아이다. 일부 경우에, 플라스미드 벡터는 에스케리키아 콜라이(*Escherichia coli*)로부터 유래된다. 일부 경우에, 핵산 서열은 5'에서 3' 방향으로 (1) 5' 역위 말단 반복부 (ITR) 서열, (2) 복제 (*Rep*) 유전자, (3) 캡시드 (*Cap*) 유전자, 및 (4) 3' ITR을 포함하며, 여기서 *Cap* 유전자는 본원에 기재된 AAV 캡시드 단백질을 코딩한다. 일부 경우에, 플라스미드 벡터는 위형화 AAV 캡시드 단백질을 코딩한다. 일부 경우에, *Cap* 유전자는 서열식별번호: 6 내지 10 중 어느 하나에 제공된 데옥시리보스 핵산 (DNA)으로부터 유래된다. 일부 경우에, *Cap* 유전자를 포함하는 핵산 서열은 본원에 참조로 포함되는 미국 출원 일련 번호 16/582,635에 제공된 DNA 서열 중 어느 하나와 적어도 90%, 91%, 92%, 93%, 94%, 95%, 96%, 97%, 98%, 99%, 또는 100% 동일하다. 일부 경우에, 5' ITR 및 3' ITR은 AAV2 혈청형으로부터 유래된다. 일부 경우에, 5' ITR 및 3' ITR은 AAV5 혈청형으로부터 유래된다. 일부 경우에, 5' ITR 및 3' ITR은 AAV9 혈청형으로부터 유래된다.

[0017] 본원에 개시된 측면은 본 개시내용의 AAV 캡시드 단백질 또는 AAV 캡시드를 포함하는 제약 제제의 치료 유효량을 투여하는 것을 포함하는, 대상체에서 질환 또는 병태를 치료하는 방법을 제공한다. 일부 실시양태에서, 질환 또는 병태는 대상체의 중추 신경계 (CNS) 또는 간의 질환 또는 병태이다. 일부 실시양태에서, 간의 질환 또는 병태는 알라질 증후군, 알콜-관련 간 질환, 알파-1 안티트립신 결핍증, 자가면역 간염, 양성 간 종양, 담관 폐쇄증, 경화증, 크리글러-나자르 증후군, 갈락토스혈증, 길버트 증후군, 혈색소침착증, 간성 뇌병증, A형 간염 A, B형 간염, C형간염, 간신장 증후군, 임신의 간내 담즙정체 (ICP), 리소좀산 리파제 결핍증 (LAL-D), 간 낭종, 간암, 신생아 황달, 비-알콜성 지방간 질환, 원발성 담즙성 담관염 (PBC), 원발성 경화성 담관염 (PSC), 라이에 증후군, 유형 I 글리코겐 저장 질환, 및 윌슨병으로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 실시양태에서, CNS의 질환 또는 병태는 투명 중격 결여, 산 리파제 질환, 산 말타제 결핍증, 후천성 간질성 실어증, 급성 파종성 뇌척수염, 주의력 결핍-과다활동 장애 (ADHD), 아디 동공, 아디 증후군, 부신백질이영양증, 뇌량 무발생, 인식불능증, 에카르디 증후군, 에카르디-구티에르 증후군 장애, AIDS -신경학적 합병증, 알렉산더병, 알페르스병, 교대성 편마비, 알츠하이머병, 근위축성 측삭 경화증 (ALS), 무뇌증, 동맥류, 앙겔만 증후군, 혈관종증, 무산소증, 항인지질 증후군, 실어증, 실행증, 지주막 낭종, 지주막염, 아놀드-키아리 기형, 동정맥 기형, 아스퍼거 증후군, 실조, 모세관확장 실조, 실조 및 소뇌 또는 척수소뇌 변성, 심방 세동 및 뇌졸중, 주의력 결핍-과다활동 장애, 자폐 스펙트럼 장애, 자율신경 기능장애, 요통, 바르트 증후군, 바텐병, 베커 근긴장증, 베체트병, 벨 마비, 양성 본태성 안검연축, 양성 초점성 근위축증, 양성 두개내 고혈압, 베른하르츠-로트 증후군, 빈스완거병, 안검연축, 블로흐-슐츠베르거 증후군, 완신경총 출생 손상, 완신경총 손상, 브라드버리-에글레스톤 증후군, 뇌 및 척추 종양, 뇌 동맥류, 뇌 손상, 브라운-세쿼드 증후군, 연수척수 근위축증, 피질하 경색 및 백질뇌병증을 갖는 뇌 상염색체 우성 동맥병증 (CADASIL), 카나반병, 손목굴 증후군, 작열통, 해면종, 해면성 혈관종, 해면 기형, 중심 경부 인대 증후군, 중심 척수 증후군, 중추 통증 증후군, 중심 교뇌 수초용해증, 두부 장애, 세라미다제 결핍증, 소뇌 변성, 소뇌 형성저하증, 뇌동맥류, 뇌 동맥경화증, 뇌 위축증, 뇌각기병, 뇌 해면 기형, 뇌성 거인증, 뇌 저산소증, 뇌성 마비, 뇌-안구-안면-골격 증후군 (COFS), 샤르코-마리-투스병, 샤르코-마리-투스 증후군, 고전적 어깨엉덩관절 점상 연골형성이상 (RCDP), 키아리 기형, 콜레스테롤 에스테르 저장 질환, 무도병, 유극적혈구증가무도병, 만성 염증성 탈수초 다발신경병증 (CIDP), 만성 기립 불내성, 만성 통증, 코케인 증후군 유형 II, 코핀 로우리 증후군, 거대후두각, 혼수, 복합 부위 통증 증후군, 선천성 안면 양측마비, 선천성 근무력증, 선천성 근병증, 선천성 혈관 해면 기형, 피질기저부 변성, 두개 동맥염, 두개골유합증, 크리 뇌염, 크로이츠펠트-야콥병, 누적 외상 장애, 쿠싱 증후군, 세포거대 봉입체 질환, 시토메갈로바이러스 감염, 안구간대경련-근간대경련 증후군, 대니-워커 증후군, 도손병, 난청, 드 무시에 증후군, 데제린-클룸프케 마비, 치매, 치매 -다발성 -경색, 치매 - 문의성, 치매 -피질하, 레비 소체를 갖는 치매, 치아소뇌 실조, 치아적색 위축증, 피부근육염, 발달성 행동곤란증, 데빅 증후군, 당뇨병성 신경병증, 미만성 경화증, 드라베 증후군, 뒤시엔느 근육 이영양증, 자율신경기능이상, 필기장애, 읽기장애, 연하곤란, 행동곤란증, 미오클로누스성 소뇌성 근실조, 진행성 소뇌성 근실조, 긴장이상, 조기 영아 간질성 뇌병증, 빈 안장 증후군, 뇌염, 기면성 뇌염, 뇌낭류, 뇌병증, 뇌병증 (가족성 영아), 뇌삼차신경 혈관종증, 간질, 간질성 편마비, 에르브 마비, 에르브-뒤시엔느 및 데제린-클룸프케 마비, 본태성 진전, 엑스트라폰틴 수초용해증, 파브리병, 파

르 증후군, 실신, 가족성 자율신경기능이상, 가족성 혈관종, 가족성 특발성 기저핵 석회화, 가족성 주기성 마비, 가족성 강직성 마비, 파버병, 열 발작, 섬유근육 이형성증, 피셔 증후군, 저긴장 영아 증후군, 족하수, 프리드리히 실조, 전두측두엽 치매, 고쉐병, 전신 강글리오시드증, 게르스트만 증후군, 게르스트만-스트라우슬러-샤인커병, 거대 축삭 신경병증, 거대 세포 동맥염, 거대 세포 봉입 질환, 교모세포종, 구상 세포 백질이영양증, 설인 신경통, 글리코겐 저장 질환, 길랑-바레 증후군, 할러보르덴-슈파츠병, 두부 손상, 두통, 지속성 반두통, 반얼굴 연축, 교대성 편마비, 유전성 신경병증, 유전성 강직성 하반신마비, 유전성 다발신경염성 실조, 대상 포진, 귀 대상 포진, 히라야마 증후군, 홀메스-아디 증후군, 완전전뇌증, HTLV-1 연관 척수병증, 휴스 증후군, 헌팅톤병, 무뇌수두증, 수두증, 수두증 - 정상 압력, 수척수증, 고코르티솔증, 과다수면증, 과다근육긴장증, 근육긴장저하증, 저산소증, 면역-매개 뇌척수염, 봉입체 근육염, 색소 실조증, 영아 근육긴장저하증, 영아 신경축삭 이영양증, 영아 피탄산 저장 질환, 영아 레프숨병, 영아 연축, 염증성 근육병증, 대후두공뇌탈출기형, 장 지방이영양증, 두개내 낭종, 두개내 고혈압, 아이삭스 증후군, 주버트 증후군, 컨스-세이어 증후군, 케네디병, 킨스본 증후군, 클라인-레빈 증후군, 클리펠-파일 증후군, 클리펠-트레노네이 증후군 (KTS), 클리버-부시 증후군, 코르사코프 건망 증후군, 크라베병, 쿠겔베르크-웰란더병, 쿠루, 램버트-이튼 근무력 증후군, 란다우-클레프너 증후군, 측방 대퇴골 피부 신경 포착증, 측방 연수 증후군, 학습 장애, 라이병, 레녹스-가스토 증후군, 레슈-니한 증후군, 백질이영양증, 레빈-크리츨리 증후군, 레비 소체 치매, 지질 저장 질환, 지방단백증, 평평뇌증, 감금 증후군, 루게릭병, 루푸스 -신경학적 후유증, 라임병 - 신경학적 합병증, 마카도-조셉병, 대뇌증, 거대뇌증, 멜커슨-로센탈 증후군, 수막염, 수막염 및 뇌염, 멘케스병, 대퇴 감각이상증, 이염색성 백질이영양증, 소두증, 편두통, 밀러 피셔 증후군, 미니 뇌졸중, 미토콘드리아 근병증, 뫼비우스 증후군, 단일 근위축증, 운동 뉴런 질환, 모야모야병, 점액지질증, 점액다당류증, 다발-경색 치매, 다초점성 운동 신경병증, 다발 경화증, 다중계 위축증, 기립성 저혈압을 갖는 다중계 위축증, 근육 이영양증, 근무력증 -선천성, 중증 근무력증, 수초탈락성 미만성 경화증, 영아의 근간대성 뇌병증, 근간대경련, 근병증, 근병증- 선천성, 근병증 -갑상선중독성, 근긴장증, 선천성 근긴장증, 기면증, 신경유극적혈구증가증, 뇌 철 축적을 갖는 신경변성, 신경섬유종증, 신경이완제 악성 증후군, AIDS의 신경학적 합병증, 라임병의 신경학적 합병증, 시토메갈로바이러스 감염의 신경학적 결과, 폼페병의 신경학적 소견, 루푸스의 신경학적 후유증, 시각 신경척수염, 신경근긴장증, 뉴런성 세로이드 지방갈색소증, 뉴런성 이동 장애, 신경병증- 유전성, 신경사르코이드증, 신경매독, 신경독성, 해면성 모반, 니만-픽병, 오설리반-맥레오드 증후군, 후두 신경통, 오타하라 증후군, 올리브뇌교소뇌 위축증, 안진전성 근간대경련, 기립성 저혈압, 과용 증후군, 통증 -만성, 판토테네이트 키나제-연관 신경변성, 신생물딸림증후군, 감각이상, 파킨슨병, 발작성 무도무정위운동, 발작성 반두통, 패리-롬베르그, 펠리자에우스-메르츠바허병, 페나 쇼카이어 II 증후군, 신경주위 낭종, 주기성 마비, 말초 신경병증, 뇌실주위 백질연화증, 지속성 식물상태, 전반적 발달 장애, 피탄산 저장 질환, 픽병, 신경 조임, 이상근 증후군, 뇌하수체 종양, 다발근육염, 폼페병, 공뇌증, 포스트-폴리오 증후군, 대상포진후 신경통, 감염후 뇌척수염, 체위성 저혈압, 체위성 기립성 빈맥 증후군, 체위성 빈맥 증후군, 원발성 치상핵 위축증, 원발성 측방 경화증, 원발성 진행성 실어증, 프리온병, 진행성 반얼굴 위축증, 진행성 운동 실조, 진행성 다초점성 백질뇌병증, 진행성 경화성 회백질이영양증, 진행성 핵상 마비, 얼굴인식불능증, 슈도-토르치 증후군, 슈도톡소플라스마증 증후군, 가뇌종양, 심인성 운동, 람세이 헌트 증후군 I, 람세이 헌트 증후군 II, 라스무센 뇌염, 반사 교감신경 이영양증 증후군, 레프숨병, 레프숨병 - 영아, 반복적 운동 장애, 반복적 스트레스 손상, 하지 불안 증후군, 레트로바이러스-연관 척수병증, 레트 증후군, 라이에 증후군, 류마티스성 뇌염, 릴리-데이 증후군, 천골 신경 근낭종, 무도병, 타액선 질환, 샌드호프병, 쉴더병, 뇌갈림증, 사이텔베르거병, 발작 장애, 문의성 치매, 중격-시신경 이형성증, 영아기의 중증 근간대성 간질 (SMEI), 흔들린 아이 증후군, 대상포진, 샤이-드래거 증후군, 쇼그렌 증후군, 수면 무호흡, 수면병, 소토스 증후군, 경직, 척추 갈림증, 척수 경색, 척수 손상, 척수 종양, 척추 근위축증, 척수소뇌 위축증, 척수소뇌 변성, 스틸-리차드슨-올스제브스키 증후군, 강직 증후군, 선조체흑질 변성, 뇌졸중, 스터지-웨버 증후군, 아급성 경화성 범뇌염, 피질하 동맥경화성 뇌병증, 단기-지속 일방 신경통유사 (SUNCT) 두통, 연하 장애, 시덴함 무도병, 실신, 매독성 척추 경화증, 척수수공동증, 척수공동증, 전신성 홍반성 루푸스, 척수 매독, 지연성 운동이상증, 타를로프 낭종, 테이-삭스병, 관자 동맥염, 계류 척수 증후군, 톰슨 근긴장증, 흉곽 출구 증후군, 갑상선중독성 근병증, 동통성 티크, 토드 마비, 뚜렛 증후군, 일과성 허혈 발작, 전파성 해면형 뇌병증, 횡단성 척수염, 외상성 뇌 손상, 진전, 삼차 신경통, 열대성 강직성 하반신마비, 트로이어 증후군, 결절성 경화증, 혈관 직립성 종양, 중추 및 말초 신경계의 혈관염 증후군, 폰 에코노모병, 폰 히펠-린다우병 (VHL), 폰 레클링하우젠병, 발렌베르크 증후군, 베르디니히-호프만병, 베르니케-코르사코프 증후군, 웨스트 증후군, 편타, 휘플병, 윌리암스 증후군, 윌슨병, 울만병, 및 X-연관 척추 및 연수 근위축증으로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 실시양태에서, 제약 제제는 치료 유전자 발현 산물을 코딩하는 치료 핵산을 포함한다. 일부 경우에, 치료 유전자 발현 산물은 사르코글리칸 알파 (SGCA), 글루탐산 데카르복실라제 65 (GAD65), 글루탐산 데카르복

실라제 67 (GAD67), CLN2, 신경 성장 인자 (NGF), 텔로미어성 운동 뉴런의 생존 1 (SMN1), 인자 X (FIX), 레티노이드 이소메로히드롤라제 (RPE65), 사르코/세포질 세망 Ca2+-ATPase (SERCA2a), β-글루코세레브로시다제 (GCase), 프라탁신 (FXN), 헌팅틴 (HTN), 메틸-CpG 결합 단백질 2 (MECP2), 퍼옥시좀 생물발생 인자 (PEX), 프로그라눌린 (GRN), 안티튜불린 작용제, 구리-아연 슈퍼옥시드 디스뮤타제 (SOD1), 글루코실세라미다제 베타 (GBA), NPC 세포내 콜레스테롤 수송제 1 (NPC1), 및 NLRP3 인플라마솜으로 이루어진 군으로부터 선택되는 표적 유전자 또는 유전자 발현 산물의 활성 또는 발현을 조정하는데 유효하다. 일부 경우에, 치료 유전자 발현 산물은 유전자 편집 성분을 포함한다. 일부 경우에, 유전자 편집 성분은 소형 간섭 RNA (siRNA), 짧은 헤어핀 RNA (shRNA), 마이크로RNA (miRNA), 인공 부위-특이적 RNA 엔도뉴클레아제 (ASRE), 아연 핑거 엔도뉴클레아제 (ZFN), CRISPR/Cas, 및 전사 인자 유사 이펙터 뉴클레아제 (TALEN)로 이루어진 군으로부터 선택된다.

[0018] 본원에 개시된 측면은 (a) (i) 치료 유전자 발현 산물을 코딩하는 제1 핵산 서열; (ii) 본 개시내용의 AAV 캡시드를 발현하도록 변형된 캡시드 (*Cap*) 유전자를 포함하는 재조합 바이러스 게놈을 코딩하는 제2 핵산 서열; 및 (iii) AAV 헬퍼 바이러스 게놈을 코딩하는 제3 핵산 서열을 포함하는 핵산을 세포 내로 도입하는 단계; 및 (b) 재조합 AAV 입자를 어셈블리하는 단계로서, 재조합 AAV 입자는 제1 핵산을 캡시드화하는 AAV 캡시드를 포함하는 것인 단계를 포함하는, 본 개시내용의 AAV 캡시드로부터 재조합 AAV 입자를 **제조하는 방법**을 제공한다.

[0019] 본원에 개시된 측면은 (a) (i) 5' 및 3' 역위 말단 반복부 (ITR) 서열에 의해 둘러싸인 치료 유전자 발현 산물을 코딩하는 제1 핵산 서열; (ii) 5' ITR 서열, 복제 (*Rep*) 유전자, 캡시드 (*Cap*) 유전자, 및 3' ITR을 포함하는 바이러스 게놈을 코딩하며, 여기서 *Cap* 유전자는 본원에 기재된 AAV 캡시드 단백질을 코딩하는 것인 제2 핵산 서열; 및 (iii) E4orf6, E2a, 및 VA RNA로 이루어진 군으로부터 선택되는 제1 헬퍼 바이러스 단백질, 및 임의로, E1a 또는 E1b55k를 포함하는 제2 헬퍼 바이러스 단백질을 코딩하는 제3 핵산 서열을 포함하는 핵산을 세포 내로 도입하는 단계; (b) 본원에 기재된 AAV 캡시드 단백질을 세포에서 발현시키는 단계; (c) 본원에 개시된 AAV 캡시드 단백질을 포함하는 AAV 입자를 어셈블리하는 단계; 및 (d) 제1 핵산 서열을 AAV 입자에서 패키징하는 단계를 포함하는 **제조 방법**을 제공한다. 일부 경우에, 세포는 포유동물이다. 일부 경우에, 세포는 불멸화된다. 일부 경우에, 불멸화된 세포는 배아 줄기 세포이다. 일부 경우에, 배아 줄기 세포는 인간 배아 줄기 세포이다. 일부 경우에, 인간 배아 줄기 세포는 인간 배아 신장 293 (HEK-293) 세포이다. 일부 경우에, *Cap* 유전자는 서열식별번호: 6 내지 10 중 어느 하나에 제공된 데옥시리보스 핵산 (DNA)으로부터 유래된다. 일부 경우에, *Cap* 유전자를 포함하는 핵산 서열은 본원에 참조로 포함되는 미국 출원 일련 번호 16/582,635에 제공된 DNA 서열 중 어느 하나와 적어도 90%, 91%, 92%, 93%, 94%, 95%, 96%, 97%, 98%, 99%, 또는 100% 동일하다. 일부 경우에, 5' ITR 및 3' ITR은 AAV2 혈청형으로부터 유래된다. 일부 경우에, 5' ITR 및 3' ITR은 AAV5 혈청형으로부터 유래된다. 일부 경우에, 5' ITR 및 3' ITR은 AAV9 혈청형으로부터 유래된다. 일부 경우에, 제1 핵산 서열 및 제2 핵산 서열은 트랜스이다. 일부 경우에, 제1 핵산 서열 및 제2 핵산 서열은 시스이다. 일부 경우에, 제1 핵산 서열, 제2 핵산 서열 및 제3 핵산 서열은 트랜스이다.

[0020] 본원에 개시된 측면은 (a) (i) AAV 캡시드 유전자, 및 (ii) Cre 리콤비나제에 대한 인식 서열로서, 여기서 인식 서열은 검출가능한 리콤비나제-의존성 변화를 용이하게 하고, 여기서 리콤비나제 인식 서열은 2개의 Cre-인식 부위를 포함하는 것인 인식 서열을 포함하는 재조합 AAV 게놈을 제공하는 단계; (iii) Cre 리콤비나제를 발현하는 세포의 집단을 재조합 AAV 게놈으로 형질감염시키고, 그에 의해 Cre 리콤비나제가 재조합 이벤트를 유도하여 재조합 AAV 게놈에서 리콤비나제-의존성 변화를 생성하는 단계로서, 여기서 리콤비나제-의존성 변화는 Cre-인식 부위에 의해 플랭킹된 서열의 역전을 포함하는 것인 단계; (iv) 세포의 집단에서 표적 세포의 리콤비나제-의존성 변화의 증가된 비율을 검출하는 단계; (v) 세포의 집단에서 오프-표적 세포의 리콤비나제-의존성 변화의 감소된 비율을 검출하는 단계; 및 (vi) 리콤비나제-의존성 변화에 의해 생성된 재조합 AAV 게놈을 확인하는 단계로서, 여기서 상기 확인된 rAAV 게놈은 역전을 포함하고, 여기서 상기 확인된 재조합 AAV 게놈은 표적 세포에 대한 증가된 특이성 및 오프-표적 세포에 대한 감소된 특이성을 갖는 것을 특징으로 하는 AAV 캡시드 입자를 코딩하는 것인 단계를 포함하는, 재조합 AAV 입자를 **제조하는 방법**을 제공한다. 일부 실시양태에서, 오프-표적 세포는 간세포이다. 일부 실시양태에서, 표적 세포는 뉴런, 아교 세포, 핍지교세포, 상의 세포, 성상세포, 슈반 세포, 위성 세포, 및 장 아교 세포로 이루어진 군으로부터 선택되는 세포이다.

[0021] 본원에 개시된 측면은 (a) 본 개시내용의 재조합 벡터를 포함하는 제1 벡터; (b) 헬퍼 바이러스 단백질을 코딩하는 제2 벡터; 및 (c) 치료 유전자 발현 산물을 코딩하는 치료 핵산을 포함하는 제3 벡터를 포함하는 **키트**를 제공한다.

[0022] 본원에 개시된 측면은 (a) 5'에서 3' 방향으로 (i) 5' 역위 말단 반복부 (ITR) 서열; (ii) 복제 (*Rep*) 유전자; (iii) 본원에 기재된 AAV 캡시드 단백질을 코딩하는 캡시드 (*Cap*) 유전자, 및 (iv) 3' ITR을 포함하는 바이러스

게놈을 코딩하는 제1 핵산 서열을 포함하는 제1 벡터; 및 (b) 임의로, E4orf6, E2a, VA RNA, E1a 및 E1b55k 중 적어도 하나를 포함하는 헬퍼 바이러스 단백질을 코딩하는 제2 핵산 서열을 포함하는 제2 벡터를 포함하는 **키트**를 제공한다. 일부 경우에, 키트는 세포를 추가로 포함한다. 일부 경우에, 세포는 포유동물이다. 일부 경우에, 세포는 불멸화된다. 일부 경우에, 불멸화된 세포는 배아 줄기 세포이다. 일부 경우에, 배아 줄기 세포는 인간 배아 줄기 세포이다. 일부 경우에, 인간 배아 줄기 세포는 인간 배아 신장 293 (HEK-293) 세포이다. 일부 경우에, 키트는 치료 유전자 발현 산물을 코딩하는 이종 핵산을 포함하는 AAV 벡터를 추가로 포함한다. 일부 경우에, AAV 벡터는 에피솜이다.

[0023] **참조로 포함**

[0024] 본 명세서에 언급된 모든 간행물, 특허, 및 특허 출원은 각각의 개별적인 간행물, 특허, 또는 특허 출원이 구체적으로 및 개별적으로 참조로 포함되는 것으로 지시된 것처럼 동일한 정도로 본원에 참조로 포함된다.

도면의 간단한 설명

[0025] 본 발명의 신규한 특색은 첨부된 청구범위에서 상세하게 제시된다. 본 발명의 특색 및 이점의 보다 양호한 이해는 본 발명의 원리가 이용된 예시적인 실시양태를 제시하는 하기 상세한 설명, 및 첨부된 도면을 참고로 얻어질 것이다.

도 1은 특이적이고 폭넓은 향성을 갖는 캡시드를 확인하는 멀티플렉스화 선택 접근법을 나타낸다. 단계 1 내지 6은 라운드-1 (R1) 선택에서의 작업흐름을 기재하고, 단계 7 내지 9는 합성 풀 방법을 사용한 라운드-2 (R2) 선택을 기재하고, 단계 1a, 2a, 및 6a 내지 b는 R1 및 R2 선택 후에 캡시드를 회수하는 딥 시퀀싱의 포함을 나타내고, 단계 10 내지 11은 양성 및/또는 음성 선택 기준, 이어서 변이체 특징규명을 기재한다.

도 2는 60량체 (좌측), 삼량체 (중간), 및 단량체 (우측) 형태로 적색으로 강조된 7-mer-i 라이브러리에 대한 삽입 부위를 갖는 AAV9 캡시드 (PDB 3UX1)의 구조적 모델을 나타낸다.

도 3은 R1 DNA의 경험적 누적 분포 빈도 (ECDF) 및 각각 깁슨(Gibson) 어셈블리 및 바이러스 생산 후 딥 시퀀싱에 의해 회수된 바이러스 라이브러리를 나타낸다.

도 4는 Tek-Cre, SNAP25-Cre, 및 GFAP-Cre 뇌 조직 (n = Cre 라인당 2)으로부터의 3개의 R1 라이브러리로부터 회수된 변이체의 분포를 나타내며, 캡시드 라이브러리는 풍부화 점수의 감소하는 정도에 의해 분류된다. AAV-PHP.V2 변이체의 풍부화 점수는 또한 맵핑된다.

도 5는 R2 합성 풀 (좌측) 및 PCR 풀 (우측) 라이브러리 디자인의 개략도이다.

도 6은 언급된 라이브러리 및 그들의 이론적 조성물 사이의 라이브러리 중첩의 백분율을 나타내는 중첩 막대 차트를 나타낸다.

도 7은 2가지 방법으로부터의 DNA 및 바이러스 라이브러리의 히스토그램을 나타내며, 여기서 라이브러리에서의 변이체는 그들의 리드 카운트 (log10 스케일로)에 의해 비닝되고, 히스토그램의 높이는 그들의 빈도에 비례한다.

도 8은 모든 Cre 트랜스제닉 라인 (n= Cre 라인당 2마리의 마우스, 평균이 플롯팅됨) 및 둘 다의 방법으로부터의 R2 뇌 라이브러리의 분포를 나타내며, 여기서 라이브러리는 풍부화 점수 (log10 스케일)의 감소하는 정도로 분류된다. 이들 라이브러리로부터의 양성으로 풍부화된 변이체의 총 수는 직선 점선에 의해 강조되고, AAV9의 상대 풍부화는 합성 풀 플롯 상에 맵핑된다.

도 9는 Tek-Cre 뇌 라이브러리로부터의 8462개의 변이체에 대한 2가지 교대 코돈 복제물의 풍부화 점수 (log10 스케일)의 비교를 나타낸다 (n= 2마리의 마우스, 평균이 플롯팅됨). 파선은 고-신뢰도 신호 (>0.3)를 노이즈로부터 분리한다. 고-신뢰도 신호 (아래)에 대해, 선형 최소-제곱 회귀는 2개의 코돈 및 회귀 선 (최량 적합) 사이에 결정된다. 결정의 계수 R2가 나타내어진다.

도 10은 통계적 유의성이 도달되는 것을 고려하여 각각의 위치에서의 주어진 AA의 상대 풍부화 또는 고갈의 규모 (log2 배수 변화)를 나타내는 열지도를 나타낸다 (P-값 ≤ 0.0001인 경우 박스표시됨, 양측, 양비율 z-검정, p-값은 본페로니(Bonferroni) 교정을 사용하여 다중 비교를 위해 교정됨). R2 DNA는 올리고풀에 대해 정규화됨 (상부, ~9000개 AA 서열), R2 바이러스는 R2 DNA에 대해 정규화됨 (중간, n = ~9000개 서열), 합성 풀 방법으로부터의 0.3 초과의 풍부화를 갖는 R2 Tek 뇌 라이브러리 (고-신뢰도 신호)는 R2 바이러스에 대해 정규화됨

(하부, 154개 서열) (n= 뇌 라이브러리에 대해 2, 마우스당 1. 모든 다른 라이브러리, n = 1).

도 11은 적어도 하나의 Cre-의존성 합성 풀 선택의 뇌 조직에서 풍부화된 변이체 (보다 밝은 텍스트, n = 세포-유형당 2마리의 마우스, 평균이 플롯팅됨) (좌측)에 대한 기관에 걸친 Cre-비의존성 상대 풍부화의 열지도를 나타낸다 (n = Cre 라인당 2마리의 마우스, 3개의 Cre 라인으로부터의 6개의 샘플에 걸친 평균이 플롯팅됨). 가장 CNS-풍부화된 변이체 (중간)의, 및 본 연구에서 특징규명된 변이체의 줌-인이 스파이크-인 라이브러리 대조군 (우측)과 함께 나타내어진다.

도 12는 Tek-Cre (좌측), GFAP-Cre (중간), 및 조합된 SNAP-Cre 및 Syn-Cre (우측) 선택에서의 풍부화 후의 합성 풀 뇌 라이브러리로부터의 변이체의 클러스터링 분석을 나타낸다. 노드의 크기는 뇌에서의 상대 풍부화를 나타낸다. 모서리 (연결선)의 두께는 관련성의 정도를 나타낸다. 상응하는 AA 빈도 로고를 갖는 별개의 패밀리 (황색) (AA 크기는 만연도를 나타내고, 색상은 AA 특성을 표시한다).

도 13은 AAV9 캡시드의 AA 위치 588-589 사이의 AAV-PHP 변이체의 7-mer 삽입 펩티드 서열을 나타낸다.

도 14는 ssAAV:CAG-mNeongreen 게놈을 사용한 AAV9 (좌측) 및 AAV-PHP.V1 (우측) 매개 발현을 나타낸다 (n = 3, $3x10^{11}$ vg IV 용량/마우스로 C57BL/6J 성체 마우스에서 3주의 발현). 화상을 피질 (하부)로부터의 보다 높은 배율 화상을 갖는 뇌 (상부)의 시상 섹션의 그것과 동일한 현미경 설정 하에서 획득하였다. αGLUT1 항체 염색을 혈관구조를 보여주기 위한 화상에 사용하였다.

도 15는 Tek-Cre 성체 마우스에서의 ssAAV-PHP.V1:CAG-DIO-EYFP에 의한 (좌측) (n = 2, 4주의 발현, $1x10^{12}$ vg IV 용량/마우스), 및 Ai14 리포터 마우스에서의 ssAAV-PHP.V1:Ple261-iCre에 의한 (우측) (n = 2, 3주의 발현, $3x10^{11}$ vg IV 용량/마우스) 혈관 형질도입을 나타낸다. 조직은 αGLUT1로 염색된다.

도 16은 피질에서 mNeongreen (XFP) 발현과 중첩하는 αGLUT1로 염색된 혈관구조의 백분율을 나타낸다. 1원 ANOVA 비-모수 크루스칼-월리스(Kruskal-Wallis) 검정 (P-값 0.0036), 및 비교정된 던(Dunn) 검정을 사용한 추적 다중 비교 (AAV9 대 PHP.V1에 대한 0.0070의 P-값)가 보고된다. **P ≤ 0.01이 나타내어지고, P > 0.05는 나타내어지지 않고; 데이터는 평균 ± S.E.M이다, n= AAV 변이체당 3마리의 마우스, 세포-유형당 마우스당 2 내지 4개의 화상으로부터 정량화된 세포.

도 17은 피질에서 mNeongreen (XFP) 발현과 중첩하는 각각의 세포-유형 특이적 마커 (αGLUT1, 성상세포에 대해 αS100, 뉴런에 대해 αNeuN, 핍지교세포 계통 세포에 대해 αOlig2)로 염색된 세포의 백분율을 나타낸다. 크루스칼-월리스 검정 (0.0078의 P-값), 및 비교정된 던 검정 (각각 뉴런 대 혈관 세포에 대해 0.0235의, 및 뉴런 대 성상세포에 대해 0.0174의 P-값)이 보고된다. *P 0.05가 나타내어지고, P > 0.05는 나타내어지지 않고; 데이터는 평균 ± S.E.M이다, n= 3마리의 마우스, 세포-유형당 마우스당 2 내지 4개의 화상으로부터 정량화된 세포.

도 18은 Tek-Cre 마우스에서의 혈관 형질도입의 효율 (도 16에 기재된 바와 같음)을 나타낸다 (n= 2, 뇌 영역당 마우스당 3개의 화상으로부터의 평균).

도 19는 Ai14 마우스에서의 혈관 형질도입의 효율을 나타낸다 (n= 2, 뇌 영역당 마우스당 4개의 화상으로부터의 평균).

도 20은 시상 뇌 및 간 섹션에서의 AAV-PHP.B4-B6 및 C1 변이체, 뿐만 아니라 B, eB, 및 AAV9 대조군에 의한 형질도입을 나타낸다. 획득된 화상 (칼럼-범위)의 각각의 세트에 걸쳐, 현미경 설정은 AAV-PHP.eB와 매칭되었다. 시상 뇌 화상 상의 백색 박스는 시상을 표시하고, 우측으로 도면의 정확한 영역은 아니다. 벡터는 ssAAV:CAG-2xNLS-EGFP 게놈으로 패키징된다 (n = 군당 3, $1x10^{11}$ vg IV 용량/ 성체 C57BL/6J 마우스, 3주의 발현). 조직은 세포-유형 특이적 마커로 염색된다: 뉴런에 대해 αNeuN, 성상세포에 대해 αS100 및 핍지교세포 계통 세포에 대해 αOlig2. 간 조직은 DNA 염색, DAPI로 염색된다.

도 21 내지 23은 지시된 뇌 영역에서의 검출가능한 핵-국재화된 EGFP를 갖는 αNeuN+ (도 21), αS100+ (도 22), 및 αOlig2+ (도 23) 세포의 백분율을 나타낸다 (n=군당 3, $1x10^{11}$ vg 용량). 터키(Tukey) 검정을 사용한 다중 비교를 위한 교정을 갖는 2원 ANOVA는 조정된 P-값으로 보고된다 (****P ≤ 0.0001, ***P ≤ 0.001, **P ≤ 0.01, *P ≤0.05가 나타내어지고, P > 0.05는 플롯 상에 나타내어지지 않는다; 95% CI, 데이터는 평균 ± S.E.M이다. 데이터세트는 마우스당 세포-유형 마커당 영역당 2개의 화상의 평균을 포함한다).

도 24는 AAV-PHP.B의 AA 587-597 (또는 AAV9의 상응하는 AA 587-590) 사이의 3개의 AA 다양화의 조합을 갖는 3-mer-s PHP.B 라이브러리의 디자인을 나타낸다. 모체 AAV-PHP.B과의 공유된 AA 동일성은 AAV-PHP.N 및 AAV-PHP.eB에 대한 고유한 모티프와 함께 나타내어진다.

도 25는 풍부화 점수 (R2 바이러스 라이브러리에 대해 정규화됨, 변이체는 풍부화 점수의 감소하는 정도로 분류됨)에 의한 R2 뇌 및 간 라이브러리의 분포 (AA 수준에서)를 나타낸다. 모든 라이브러리에 걸친 AAV-PHP.eB 및 AAV-PHP.N의 풍부화가 플롯 상에 맵핑된다.

도 26은 단지 통계적 유의성이 배수 변화에 대해 도달되는 경우, 열지도가 다양화된 영역에 걸친 각각의 위치에서 주어진 AA의 상대 풍부화 또는 고갈의 규모 (log2 배수 변화)를 나타냄을 나타낸다 (p-값 ≤ 0.0001인 경우 박스표시됨, 양측, 양비율 z-검정, 본페로니 교정을 사용하여 다중 비교를 위해 교정된 p-값). 플롯은 뇌에서 고도로 풍부화된 (>0.5 평균 풍부화 점수, 여기서 평균은 Vglut2, Vgat 및 GFAP에 걸쳐 도출됨, n = 마우스 라인당 1개의 라이브러리 (라인당 2마리의 마우스로부터 풀링된 샘플)) 및 간에서 저표시된 (<0.0) 변이체를 포함한다 (32개의 AA 서열).

도 27은 Vgat 뇌 라이브러리로부터의 풍부화된 변이체의 클러스터링 분석을 나타내며, 노드 크기는 간에서의 음성 풍부화의 정도를 나타내고, 모서리 (연결선)의 두께는 노드 사이의 관련성의 정도를 나타낸다. 2개의 별개의 패밀리는 황색으로 강조되고, 그들의 상응하는 AA 빈도 로고는 아래에 나타내어진다 (AA 크기는 만연도를 나타내고, 색상은 AA 특성을 표시한다).

도 28은 지시된 뇌 영역에서의 ssAAV-PHP.N:CAG-2xNLS-EGFP를 갖는 뉴런, 성상세포 및 핍지교세포 계통 세포의 백분율을 나타낸다 (n = 3, 성체 C57BL/6J 마우스당 $1x10^{11}$ vg IV 용량, 3주의 발현, 데이터는 평균±S.E.M을 나타냄, 전체 영역을 커버하는 20x 대물렌즈를 사용한 세포-유형 마커당 마우스당 피질, 시상 및 선조체에 대해 6 내지 8개의 화상, 및 복측 중뇌에 대해 2개의 화상). 터키 검정을 사용한 다중 비교를 위한 교정을 갖는 2원 ANOVA는 ****P ≤ 0.0001, P > 0.05에 대해 ns, 95% CI로서 보고된 조정된 P-값을 제공하였다.

도 29는 3개의 뇌 영역 (피질, SNc (흑색질 치밀층) 및 시상)에 걸친 NeuN 염색 (마젠타)을 갖는 ssAAV-PHP.N:CAG-NLS-EGFP에 의한 형질도입을 나타낸다 (n = 2, 성체 C57BL/6J 마우스당 $2x10^{11}$ vg IV 용량, 3주의 발현).

도 30은 이전의 연구에서 (PHP.B-B3, PHP.eB) 또는 본 연구에서 (PHP.B4-B8, PHP.V1-2, PHP.C1-3) 확인된, 본원에 기재된 모든 변이체의 뇌-풍부화된 서열 패밀리를 나타내는 클러스터링 분석을 나타낸다. 모서리 (연결선)의 두께는 노드 사이의 관련성의 정도를 나타낸다. 논의된 모든 변이체에 대한 (AAV9 캡시드의) 588-589 사이에 삽입된 AA 서열은 밑에 나타내어진다.

도 31은 시상 뇌 섹션 (우측)에서의 3가지 상이한 마우스 계통: C57BL/6J, BALB/cJ 및 FVB/NJ에 걸친 AAV9, AAV-PHP.V1 및 AAV-PHP.N의 형질도입을 시상 뇌 영역 (좌측)의 보다 높은 배율 화상과 함께 나타낸다.

도 32는 시상 뇌 섹션 (우측)에서의 C57BL/6J 및 BALB/cJ 마우스에서의 AAV-PHP.B, AAV-PHP.C1-C3에 의한 형질도입을 시상 뇌 영역 (좌측)의 보다 높은 배율 화상과 함께 나타낸다. **도 31 및 32에서**, 시상 뇌 화상 상의 백색 박스는 시상의 위치를 나타내고, 좌측으로 도면 상에 줌-인된 정확한 영역은 아니다. 획득된 화상의 현미경 설정은 모든 시상 섹션에 걸쳐 및 모든 시상 영역에 걸쳐 매칭된다. AAV-PHP.V1에서의 삽도는 증진된 밝기를 갖는 줌-인이다. 지시된 캡시드를 사용하여 ssAAV:CAG-mNeongreen을 패키징하였다 (*n* = 군당 2 내지 3, 6 내지 8주령 성체 마우스당 $1x10^{11}$ vg IV 용량, 3주의 발현. 도 31 및 32에 보고된 데이터는 1회의 독립 시행으로부터의 것이며, 여기서 모든 바이러스는 신선하게 제조되고, 투여량 일관성을 위해 동일한 검정에서 적정되었다. AAV-PHP.C2 및 AAV-PHP.C3은 BALB/cJ에 대한 독립 시행에서 추가로 확인되었다, n = 군당 2).

도 33은 모든 세포주에서의 뇌 조직에서 양성으로 풍부화된 7-mer 및 11-mer 변이체를 제공한다.

도 34는 하나의 특이적 라이브러리에서 풍부화되지만, 모든 다른 뇌 및 간 라이브러리에서 음성으로 풍부화된 7-mer 및 11-mer 변이체를 제공한다.

도 35는 간 조직에서 모든 cre 라인에서 양성으로 풍부화된 11-mer 변이체를 제공한다.

도 36은 M-CREATE에 사용된 유전자 스위치의 도해이다. 수용자 벡터는 Cre+ 세포로부터의 캡시드의 선택적 회수에 사용된 Lox 부위 사이의 정방향 및 역방향 프라이머의 위치를 나타낸다. Rep-AAPΔCap 벡터는 VP1, VP2, 및 VP3 단백질의 합성을 방지하도록 디자인된 정지 코돈에 추가로 Cap 유전자에서의 480 bp의 결실을 나타낸다.

AAP 단백질 번역은 이들 변형에 의해 영향을 받지 않는다.

도 37은 Cre-Lox 플립핑 전략 및 딥 시퀀싱을 위한 샘플의 제조를 사용하여 표적 집단으로부터 rAAV 게놈을 선택적으로 회수하는 프로토콜의 개략도이다.

도 38은 특이적 시퀀싱 깊이로부터 얻어진 R1 DNA 및 바이러스 라이브러리에 대한 라이브러리 커버리지를 예시한다.

도 39는 샘플링된 DNA 및 바이러스 내의, 또는 조직 내의 상이한 Cre 라인에 걸친, 또는 R1 선택으로부터의 조직에 걸친 변이체 중첩의 백분율을 나타낸다.

도 40은 R1 선택 후 상이한 Cre 트랜스제닉 마우스에 걸쳐 뇌 조직으로부터 NGS에 의해 회수된 라이브러리에 대한 AAV 캡시드 리드 카운트의 분포를 나타낸다. 점선은 단지 예시적이며, 신호를 노이즈로부터 대략적으로 분리하고 (신호 대 노이즈의 추정 방법 참조), 여기서 이 맥락에서 신호는 R2 선택을 위한 입력을 나타낸다.

도 41은 상이한 처리를 사용한 조직으로부터의 rAAV 게놈 회수가 0.1 g의 간으로부터의 총 rAAV 게놈 회수와 함께 나타내어짐을 나타낸다.

도 42는 총 추출된 DNA의 ng당 회수된 rAAV 게놈의 백분율을 나타낸다.

도 43은 SmaI 제한 효소로 처리되거나 비처리된 트리졸에 의해 추출된 rAAV 게놈의 CT 값 (qPCR로부터의 사이클 역치)을 나타낸다.

도 44는 간 조직으로부터의 1 ng의 총 DNA로부터 회수된 미토콘드리아 DNA의 CT 값 (보다 작은 게놈 회수에 대한 내부 대조군, 배수 변화 = 10.79 ($2^{\Delta CT}$))을 나타낸다. 도 41 내지 44에서, n = 4마리의 마우스; GFAP-Cre 라인으로부터 2 및 Tek-Cre 라인으로부터 2, 각각의 데이터 점은 3회의 기술적 반복실험의 평균으로부터 도출되고, 오차 막대는 평균±S.E.M.이다, 만-휘트니(Mann-Whitney) 검정, 양측 (도 41, 42, 및 44에서 0.0286 ($*P \leq 0.05$), 및 도 43에서 0.1143 (n.s., $P > 0.05$, CI 95%)의 정확한 P-값). 도 41, 42, 및 44에 보고된 데이터는 1회의 독립 시행으로부터의 것이고, 도 43은 3회의 독립 시행으로부터의 것이다.

도 45는 R1 및 R2 벡터 생산에 걸친 캡시드 DNA 라이브러리의 10 ng당 얻어진 벡터 수율을 나타낸다.

도 46은 NGS 리드 카운트의 표준 점수에 의한 합성 풀 및 PCR 풀 방법에 의해 생산된 DNA 및 바이러스 라이브러리의 분포를 나타낸다. 바이러스 라이브러리에서의 변이체는 표준 점수의 감소하는 정도에 의해 분류되고, 각각의 DNA 라이브러리로부터의 그들의 점수는 그들 상으로 맵핑된다.

도 47은 합성 풀 및 PCR 풀 방법에 의해 생산된 DNA 및 바이러스 라이브러리 (n = 라이브러리당 1)에 대한 리드 카운트의 표준 점수 사이의 상관관계가 선형 최소-제곱 회귀, 및 회귀 선 (최량 적합) 및 결정의 계수를 나타내는 R2에 의해 결정됨을 나타낸다.

도 48은 합성 풀 (좌측) 및 PCR 풀 (우측) 디자인에 의해 생산된 바와 같은, 각각의 Cre 라인 선택에 사용된 2마리의 마우스의 뇌 조직으로부터의 캡시드 라이브러리의 분포를 나타낸다. 합성 풀 라이브러리 디자인에서 도입된 스파이크-인 라이브러리의 분포는 중앙에 나타내어진다.

도 49는 합성 풀 및 PCR 풀 방법에 의해 생산된 뇌 라이브러리로부터의 변이체 (n = Cre 라인당 2, 평균이 플롯팅됨)의 풍부화 점수의 상관관계가 도 47에 관하여 기재된 동일한 방법에 의해 결정됨을 예시한다.

도 50은 선형 최소-제곱 회귀에 의한 GFAP-Cre (좌측), SNAP-Cre (중앙), 및 Syn-Cre (우측) 뇌 라이브러리로부터의 변이체 (n = Cre 라인당 2, 평균이 플롯팅됨)의 2개의 교대 코돈 복제물의 풍부화 점수 (log10) 사이의 상관관계 분석을 나타낸다. 점선은 고-신뢰도 신호를 노이즈로부터 분리한다. 고 신뢰도 신호 (아래)는 선형 회귀 선 (최량 적합)에 의해 평가되고, R2는 결정의 계수를 나타낸다.

도 51은 복제물에서 회수된 8000개 초과의 변이체를 갖는, 상이한 뇌 라이브러리에 걸친 변이체의 2개의 코돈 복제물 사이의 풍부화 점수에서의 차이를 나타낸다.

도 52는 열지도가 통계적 유의성에 도달하는 "입력" 라이브러리 2에 대해 정규화된 "출력" 라이브러리 1에서의 AA 편향의 규모 (log2 배수 변화)를 나타냄을 나타낸다 (P-값 ≤ 0.0001인 경우 박스표시됨, 양측, 양비율 z-검정, 단비율 z-검정이 수행된 공지된 NNK 주형에 대해 정규화된 R1 DNA에서를 제외하고, 및 본페로니 교정을 사용하여 다중 비교에 대해 교정된 P-값). NNK 주형에 대해 정규화된 R1 DNA 라이브러리 (상부 좌측, ~900만개 서열), R1 DNA 라이브러리에 대해 정규화된 R1 바이러스 (하부 좌측, ~1000만개 서열), R2 바이러스에 대해 정

규화된 뇌에서 1.0 초과의 풍부화 점수를 갖는 R2 GFAP 라이브러리 (상부 우측, 20개 서열) 및 R2 바이러스에 대해 정규화된 1.2 초과의 풍부화 점수를 갖는 R2 SNAP 라이브러리 (하부 우측, 17개 서열)이 나타내어진다 (n = DNA, 바이러스에 대해 1, 및 n = 뇌 라이브러리에 대해 2).

도 53은 PCR 풀 디자인에 의한, 및 스파이크-인 라이브러리를 갖는 합성 풀 디자인에 의한 Tek, GFAP, 및 조합된 뉴런 뇌 라이브러리 (SNAP 및 Syn)로부터의 양성으로 풍부화된 변이체의 클러스터링 분석이 뇌에서의 그들의 상대 풍부화를 나타내는 노드의 크기, 및 노드 사이에 공유된 AA 동일성의 정도를 나타내는 모서리 (연결선)의 두께와 함께 나타내어짐을 나타낸다. 별개의 패밀리는 밑의 상응하는 AA 빈도 로고와 함께 황색으로 강조된다 (AA 크기는 만연도를 반영하고, 색상은 AA 특성에 기반하여 표시된다).

도 54는 모든 기관에 걸친 mNeonGreen을 유도하는 CAG 프로모터를 패키징하는 AAV9 (상부 행) 및 AAV-PHP.V1 (하부 행)의 발현을 나타낸다 (n=3, 성체 C57BL/6J 마우스당 $3x10^{11}$ vg 용량, 3주의 발현).

도 55는 핵-국재화된 mTurquoise2 리포터의 발현을 유도하는 GfABC1D 프로모터를 운반하는 AAV-PHP.V1 (좌측) 및 AAV-PHP.eB (우측) 캡시드의 IV 전달 후의 피질 성상세포 (S100+)에서의 발현을 나타낸다 (성체 마우스당 $1x10^{12}$ vg 용량, 4주의 발현). mTurquoise2 발현과 중첩한 피질 S100+ 세포의 백분율이 정량화된다 (n = 2, 각각의 데이터 점은 마우스당 3개의 화상으로부터의 평균이다).

도 56은 Ai14-tdTomato 리포터 성체 마우스에서의 단일-가닥 (ss) AAV9, PHP.eB의 발현을 나타낸다 (n=군당 2 내지 3, 성체 마우스당 $3x10^{11}$ vg 용량, 3주의 발현).

도 57은 Ai14-tdTomato 리포터 성체 마우스에서의 PHP.V1의 발현을 나타낸다 (n=군당 2 내지 3, 성체 마우스당 $3x10^{11}$ vg 용량, 3주의 발현).

도 58은 좌측에 Ai14-tdTomato 리포터 성체 마우스 (n=군당 2 내지 3, 성체 마우스당 $3x10^{11}$ vg 용량, 3주의 발현)에서의 패키징 Ple261 프로모터 운반 iCre 트랜스진의 발현을 나타낸다. 우측 칼럼에서, **도 58**은 EGFP를 유도하는 CB6 편재적 프로모터 (위) 및 EGFP를 유도하는 CAG 프로모터 (아래)를 운반하는 자기-상보적 (sc) AAV-PHP.V1의 발현을 나타낸다. 렉틴 다이라이트(Lectin DyLight) 594 염색이 또한 나타내어진다 (n=2 내지 3, 성체 C57BL/6J 마우스당 $3x10^{11}$ vg 용량, 2주의 발현). 도 56, 57에서의 실험, 및 도 58의 좌측 칼럼은 바이러스의 신선한 배치로부터의 1회의 독립 시행으로부터 보고되며, 투여량 일관성에 대한 동일한 검정에서 적정된다. 도 58에서의 실험은 2회의 독립 시행에서 확인되었다 (n = 군당 2).

도 59는 mNeonGreen의 발현을 유도하는 CAG 프로모터를 운반하는 AAV-PHP.V2 변이체 및 대조군 AAV9에 의한 마우스 뇌의 형질도입을 나타낸다 (n = 3, C57BL/6J 성체 마우스당 $3x10^{11}$ vg IV 용량, 3주의 발현). 시상 뇌 화상 (좌측)은 도 14에서의 시상 뇌 화상의 그것과 동일한 현미경 설정을 사용하여 획득되었다. αGLUT 또는 αS100 또는 αOlig2로 염색된 AAV-PHP.V2 형질도입된 뇌 섹션의 보다 높은 배율 화상이 나타내어진다.

도 60은 Tek-Cre 성체 마우스에서의 CAG-DIO-EYFP를 운반하는 AAV-PHP.V2에 의한 뇌 혈관구조의 형질도입 (좌측, 마우스당 $1x10^{12}$ vg IV 용량, 4주의 발현), 및 그의 효율 (우측)이 상이한 뇌 영역에 걸친 EYFP 발현과 αGLUT1 염색의 중첩에 의해 결정됨을 나타낸다 (n = 2, 마우스당 뇌 영역당 3개의 화상의 평균).

도 61은 GFAP-Cre 성체 마우스에서의 AAV-PHP.V2에 의한 성상세포의 형질도입을 나타낸다 (마우스당 $1x10^{12}$ vg IV 용량, 4주의 발현). EYFP 발현과 중첩한 피질 $S100^{+}$ 세포의 백분율이 정량화된다 (n = 2, 마우스당 3개의 화상의 평균).

도 62는 $EGFP^{+}$인 $DAPI^{+}$ 세포의 백분율로서 정량화된 간 간세포의 형질도입 수준을 나타낸다 (n = 3, CAG-2xNLS-EGFP로 패키징된 벡터, $1x10^{11}$ vg IV 용량/성체 C57BL/6J 마우스, 3주의 발현, 평균±S.E.M, 군당 마우스당 4개의 화상. 1원 ANOVA, 비-모수 크루스칼-월리스 검정은 0.0088의 대략적 P-값을 제공하였다).

도 63은 CAG-mNeonGreen 게놈을 패키징하는 AAV-PHP.B4, B7, AAV-PHP.X1 (ARQMDLS), 및 AAV-PHP.X2 (TNKVGNI)에 의한 뇌 조직의 형질도입 (n = 3, $1x10^{11}$ vg IV 용량/성체 C57BL/6J 마우스, 3주의 발현)이 도 14에서의 AAV9 및 AAV-PHP.V1 시상 뇌 화상의 그것과 동일한 현미경 설정을 사용하여 획득되었음을 나타낸다.

도 64는 CAG-mRuby2 게놈을 사용한 AAV-PHP.B8에 의한 뇌의 형질도입을 나타낸다 (*n* = 3, $3x10^{11}$ vg IV 용량/ 성체 C57BL/6J 마우스, 3주의 발현).

도 65는 CAG-2xNLS-EGFP를 패키징하는 AAV9 (좌측), AAV-PHP.X3 (QNVTKGV) (중간) 및 AAV-PHP.X4 (LNAIKNI) (우측) 벡터의 형질도입을 나타낸다 (*n* = 2, $1x10^{11}$ vg IV 용량/ 성체 C57BL/6J 마우스, 3주의 발현). 도 62 내지 65에서의 데이터는 1회의 독립 시행으로부터 보고된다.

도 66 내지 67은 R1 (도 66) 및 R2 (도 67) 뇌 라이브러리의 분포를 나타낸다 (AA 수준에서, 점수의 증가하는 정도로 분류된 RC의 표준 점수 (SS)). 라이브러리에 걸친 AAV-PHP.N 및 AAV-PHP.eB에 대한 SS가 이 플롯의 줌-인 뷰 상에 맵핑된다 (점선 박스).

도 68은 R2 바이러스 (입력 라이브러리)에 대해 정규화된 R2 간 라이브러리 (상부 100개 서열)로부터의 양성으로 풍부화된 변이체의 다양화된 영역에 걸친 AA 분포의 열지도를 나타낸다.

도 69는 GFAP 및 Vglut2 뇌 라이브러리로부터의 양성으로 풍부화된 변이체의 클러스터링 분석이 간에서의 그들의 상대 음성 풍부화를 나타내는 노드의 크기, 및 노드 사이의 그들의 상대 동일성을 나타내는 모서리 (연결선)의 두께와 함께 나타내어짐을 나타낸다.

도 70은 모든 기관에 걸친 ssAAV:CAG-mNeonGreen으로 패키징된 AAV-PHP.B (상부 행) 및 AAV-PHP.N (하부 행)의 발현을 나타낸다 (n = 3, 성체 C57BL/6J 마우스당 $3x10^{11}$ vg IV 용량, 3주의 발현).

도 71은 mNeonGreen의 발현을 유도하는 CAG 프로모터를 운반하는 AAV-PHP.N 변이체에 의한 마우스 뇌의 형질도입을 나타낸다 (*n* = 3, C57BL/6J 성체 마우스당 $1x10^{11}$ vg IV 용량, 3주의 발현). 형광 계내 혼성화 연쇄 반응 (FITC-HCR)을 사용하여 흥분성 뉴런을 Vglut1로 및 억제성 뉴런을 Gad1로 표지하였다. EGFP 발현이 특이적 세포 마커와 공동-국재화된 소수의 세포는 별표 기호에 의해 강조된다.

도 72는 인간 뇌 미세혈관 내피 세포 배양 (HBMEC)에서의 AAV9, AAV-PHP.eB 및 AAV-PHP.V1의 형질도입을 나타낸다. 벡터를 ssAAV:CAG-mNeongreen으로 패키징하였다. 군에 걸친 평균 형광 강도를 정량화하였다 (n=군당 0.95 cm^2 표면적의 3개의 조직 배양 웰, 용량당 군당 웰당 3개의 화상을 3일의 발현 후에 화상화하였다, 0.95 cm^2 표면적당 용량 $1x10^8$ vg 및 $1x10^{10}$ vg). 터키 검정을 사용한 다중 비교를 위한 교정을 갖는 2원 ANOVA는 AAV9 대 PHP.V1에 대해 0.0051, PHP.eB 대 PHP.V1에 대해 0.0096, $1x10^8$ vg에 대한 AAV9 대 PHP.eB에 대해 0.8222, 및 AAV9 대 PHP.V1에 대해 0.0052, PHP.eB 대 PHP.V1에 대해 0.0049, $1x10^{10}$ vg에 대한 AAV9 대 PHP.eB에 대해 0.9996의 조정된 P-값을 제공하였다 (**P ≤ 0.01이 나타내어지고, P > 0.05는 플롯 상에 나타내어지지 않는다; 평균 ± S.E.M., 95% CI).

도 73은 2가지 상이한 마우스 계통: C57BL/6J 및 BALB/cJ에 걸친 AAV-PHP.B, AAV-PHP.C2 및 AAV-PHP.C3에 의한 피질 뇌 영역의 형질도입을 나타낸다. 벡터를 ssAAV:CAG-mNeongreen으로 패키징하였다 (*n* = 군당 2 내지 3, $1x10^{11}$ vg IV 용량/ 성체 마우스, 3주의 발현). 모든 화상을 동일한 현미경 설정을 사용하여 획득하였다. 도 72 및 73에 보고된 데이터는 모든 바이러스가 신선하게 제조되고, 투여량 일관성을 위해 동일한 검정에서 적정된 1회의 독립 시행으로부터의 것이며, AAV-PHP.C2 및 AAV-PHP.C3에 대한 추가의 확인은 BALB/cJ에 대한 독립 시행에서이다.

도 74는 이전의 간행물 (AAV-PHP.B 또는 AAVPHP.eB와 같은 널리 특징규명된 변이체 뿐만 아니라 이전의 방법론을 사용하여 확인된 그러나 생체내에서 특징규명되지 않은 많은 변이체를 포함함)에서 확인된 AAV9 및 ~50개의 추가의 변이체 (및 그들의 대안적 코돈 중복물)의 스파이크-인 라이브러리의 상세사항이 새로운 변이체의 상대 성능에 대한 내부 선택 대조군 및 표준물로서 작용함을 제공한다. 문헌 [Deverman, B. E. et al. Cre-dependent selection yields AAV variants for widespread gene transfer to the adult brain. Nat. Biotechnol. 34, 204-209 (2016)] 및 [Chan, K. Y. et al. Engineered AAVs for efficient noninvasive gene delivery to the central and peripheral nervous systems. Nat. Neurosci. 20, 1172-1179 (2017)]; 이들의 각각의 내용은 본원에 참조로 포함된다. 스파이크-인 라이브러리를 합성 풀 라이브러리의 일부로서 생성하였다.

도 75는 스파이크-인 라이브러리에 대한 풍부화 점수를 나타낸다.

발명을 실시하기 위한 구체적인 내용

[0026] 본 개시내용의 바람직한 사례를 본원에 나타내고 기재하였지만, 이러한 사례는 단지 예로서 제공됨이 관련 기술분야의 통상의 기술자에게 자명할 것이다. 다수의 변형, 변화, 및 치환은 이제 본 개시내용으로부터 벗어나지 않으면서 관련 기술분야의 통상의 기술자에게 일어날 것이다. 본원에 기재된 본 개시내용의 사례에 대한 다양한 대안은 본 개시내용을 실시하는데 있어서 채용될 수 있음이 이해되어야 한다. 하기 청구범위는 본 개시내용의 범주를 한정하고, 이들 청구범위의 범주 내의 방법 및 구조 및 그들의 등가물은 그에 의해 커버되는 것으로 의도된다.

[0027] 이들이 대상체에게 전신적으로 (예를 들어, 정맥내, 비내) 투여되는 경우 대상체에서 표적 세포 또는 환경 (예를 들어, 세포-유형 또는 조직) 내로 트랜스진을 통합하는데 유용한 변형된 아데노-연관 (AAV) 바이러스 캡시드 조성물이 본원에 제공된다. 본 개시내용의 변형된 AAV 캡시드 단백질은 바람직한 향성, 예컨대 참조 AAV 캡시드 단백질과 비교하여 증가된 또는 감소된 특이성, 또는 참조 AAV 캡시드 단백질과 비교하여 증가된 또는 감소된 트랜스진 형질도입 효율을 부여하는 상응하는 모체 AAV 캡시드 단백질에서의 아미노산의 적어도 하나의 삽입 또는 치환을 포함한다.

[0028] 바람직한 향성, 예컨대 표적 생체내 환경, 예컨대 조직 또는 세포에서 바이러스 형질도입의 증가된 특이성을 갖도록 조작된 AAV 캡시드가 본원에 개시된다. 일부 실시양태에서, 본 개시내용의 AAV 캡시드는 대상체의 중추신경계 (CNS)를 특이적으로 표적화하도록 조작된다. 일부 실시양태에서, 본 개시내용의 AAV 캡시드는 대상체의 간을 특이적으로 표적화하도록 조작된다. AAV 캡시드는 예를 들어, 치료 유전자 발현 산물을 코딩하는 이종 핵산으로 바이러스 벡터를 캡시드화할 수 있다. 표적 생체내 환경 (예를 들어, 뇌, 간)에서 이종 핵산의 고도로 특이적인 형질도입은 이종 핵산을 캡시드화하는 본 개시내용의 AAV 캡시드의 대상체에의 전신 전달 시 달성될 수 있다. 본원에 개시된 AAV 캡시드는 많은 적용, 예컨대 뇌의 단일유전자 장애 (예를 들어, GLUT1-결핍 증후군, 점액다당류증 유형 IIIC)를 진단하고/거나 치료하는 것, 입양 세포 요법을 생성하는 것, 및 생의학적 연구 적용에 유리하다.

[0029] AAV 캡시드는 각각 모체 AAV 캡시드 단백질 구조의 588 루프 (AAV9 VP1 넘버링)에서의 아미노산에 적어도 1개의 아미노산의 삽입 또는 치환을 갖는 AAV 캡시드 단백질 (예를 들어, VP1, VP2, 및 VP3)을 포함한다. 588 루프는 AAV2의 헤파란 술페이트 결합의 부위를 함유하며, 펩티드 제시를 처리할 수 있다. AAV9에 대한 유일한 공지된 수용체는 N-연결된 말단 갈락토스 및 AAV 수용체 (AAVR)이지만, 많은 지시는 다른 것들이 있음을 가리킨다. 설치류 모델에서 참조 AAV와 비교하여 표적 생체내 환경에서 증가된 특이성 및 트랜스진 형질도입을 부여하는 AAV9 588 루프에 대한 변형이 본원에 나타내어진다. 일부 경우에, 모체 AAV 캡시드 단백질은 AAV 혈청형 9 (일명 AAV9)를 갖는다.

[0030] AAV-매개 트랜스진 전달의 가장 통상적인 방법은 표적 생체내 환경에의 직접 주사에 의해서이며, 이는 덜 침습적인 방법과 비교하여 손상 또는 사망의 위험, 통증, 및 보다 높은 비용을 포함한 많은 이유로 불리하다. 예를 들어, 두개내 주사는 뇌의 출혈을 유발할 수 있다. 정맥내 투여에 의한 이전의 AAV-매개 전달은 직접 주사에 대한 필요를 회피하지만, 표적 생체내 환경 (예를 들어, 조직 또는 세포)에 대한 감소된 특이성을 가지며, 이는 오프-표적 형질도입 이벤트를 발생시키고, 표적 생체내 환경에서 충분한 치료 수준을 달성하기 위한 보다 큰 바이러스 로드를 필요로 한다. 이는 AAV가 혈액 뇌 장벽 (BBB)을 횡단해야 하는 경우 특히 명백하다.

[0031] 참조 AAV 캡시드 단백질과 비교하여 증가된 특이성을 갖는 트랜스진 (예를 들어, 치료 핵산)을 포함하는 바이러스 벡터를 캡시드화하는 본 개시내용의 AAV 캡시드를 전신적으로 투여하는 것을 포함하는 방법이 개시된다. 본 개시내용의 AAV 캡시드는 BBB를 횡단하고, 대상체에서 특정 표적 세포-유형 (예를 들어, 뉴런, 내피 세포)에서 트랜스진을 형질도입할 수 있다. 따라서, 본 개시내용의 AAV 캡시드 단백질은 인간 질환, 특히 표적 생체내 환경에 영향을 미치는 질환을 치료하기 위한 트랜스진 요법에 적합하다.

[0032] 재조합 AAV (rAAV) 벡터에 함유되고 본 개시내용의 AAV 캡시드 단백질에 의해 캡시드화된 트랜스진이 또한 본원에 제공된다. 본원에 개시된 트랜스진은 다양한 목적을 위해, 예컨대 대상체에서 질환 또는 병태를 치료하기 위해 대상체에게 전달된다. 트랜스진은 표적 유전자 또는 유전자 발현 산물의 활성 또는 발현을 조정하는 유전자 편집 성분일 수 있다. 대안적으로, 트랜스진은 그 자체, 또는 또 다른 표적 유전자 또는 유전자 발현 산물의 활성 또는 발현을 조정하는데 유효한 치료 유전자 발현 산물을 코딩하는 유전자이다.

[0033] 멀티플렉스화 Cre 재조합-기반 AAV 표적화된 진화 (M-CREATE)를 포함하는 7-mer 또는 3-mer 펩티드 삽입을 확인하는 방법이 본원에 제공된다. 본 개시내용의 M-CREATE 방법은 (1) 선택 전에 바이러스 생산에서의 편향을 교

정하는 딥 시퀀싱을 사용함으로써 각각의 변이체에 대한 진정한 풍부화 점수의 계산, (2) 동등한 변이체 제시를 갖는 라운드 1 후 합성 풀 라이브러리의 생성을 통한 선택의 연속적 라운드에서의 편향의 감소된 전파, (3) 풀에서의 각각의 선택된 변이체의 2개의 코돈 복제물을 포함함으로써 가양성의 감소, 및 (4) 다중 표적 (세포 유형 또는 기관) 중에서 회수된 캡시드 라이브러리의 딥 시퀀싱을 비교함으로써 양성 및 음성 선택 기준 둘 다를 뒷받침한다. 이들 특색은 생체내에서 확인 및 특징규명의 가치가 있는 변이체에 대한 정통한 확신적 선택을 허용한다.

[0034] AAV 캡시드 단백질을 포함하는 AAV 캡시드 및 치료 핵산을 코딩하는 바이러스 벡터를 생산하는 방법이 본원에 개시된다. AAV 캡시드 단백질은 트랜스진 (예를 들어, 치료 핵산을 함유함)을 코딩하는 제1 벡터, AAV 캡시드 단백질을 갖는 AAV 게놈을 코딩하는 제2 벡터, 및 AAV 캡시드 구조의 어셈블리 및 AAV 캡시드에서의 트랜스진의 패키징에 필요한 헬퍼 바이러스 단백질을 코딩하는 제3 벡터를 세포 (예를 들어, 불멸화된 줄기 세포) 내로 도입함으로써 생산된다. 어셈블리된 AAV 캡시드는 관련 기술분야에 공지된 적합한 방법을 사용하여 세포로부터 단리되고 정제될 수 있다.

[0035] 본 개시내용의 AAV 캡시드 단백질을 코딩하는 핵산 서열을 포함하는 재조합 AAV 벡터가 또한 본원에 제공된다. 예를 들어, 본 개시내용의 바이러스 벡터는 VP1, VP2, 및 VP3 (이들 중 적어도 하나는 본 개시내용의 AAV 캡시드 단백질을 생산하도록 변형됨)을 코딩하는 AAV 바이러스 Cap (캡시드)를 포함하는 핵산 서열을 포함한다. 제공된 재조합 AAV 벡터는 AAV 혈청형 (예를 들어, AAV9)으로부터 유래될 수 있다.

[0036] **I. 조성물**

[0037] 재조합 아데노-연관 바이러스 (rAAV) 매개 유전자 전달은 에피솜 이종 핵산 (예를 들어, 트랜스진, 치료 핵산)의 핵 발현을 위한 바이러스 형질도입의 AAV 메커니즘을 활용한다. 숙주 생체내 환경에의 전달 시, rAAV는 (1) 표적 세포 상의 세포 표면 수용체에 결합하거나 부착하고, (2) 흡수하고, (3) 핵으로 수송하고, (4) 바이러스를 탈각시켜 캡시드화된 이종 핵산을 방출하고, (5) 핵에서 전사를 위한 주형으로서 단일-가닥으로부터 이중-가닥 DNA로 이종 핵산을 전환시키고, (6) 숙주 세포의 핵에서 에피솜 이종 핵산을 전사할 것이다 ("형질도입"). 증가된 특이성 (표적 세포 상의 세포 표면 수용체에 결합함) 및 형질도입 효율 (숙주 세포에서 에피솜 이종 핵산의 전사)을 갖도록 조작된 rAAV는 유전자 요법 적용에 바람직하다.

[0038] rAAV는 이종 핵산 (예를 들어, 치료 핵산, 유전자 편집 기구)을 캡시드화하도록 조작될 수 있는 AAV 캡시드를 포함한다. AAV 캡시드는 3가지 AAV 캡시드 단백질 단량체, VP1, VP2, 및 VP3으로 구성된다. 이들 3가지 VP 단백질의 60개 카피는 1:1:10 비로 상호작용하여 바이러스 캡시드를 형성한다 (**도 2**). VP1은 ~137 아미노산 N-말단 영역 (VP1u)에 추가로 VP2 단백질의 전체를 커버하고, VP2는 ~65 아미노산 N-말단 영역 (VP1/2 공통 영역)에 추가로 VP3의 전체를 커버한다. 3가지 캡시드 단백질은 VP3의 보존된 아미노산 서열을 공유하며, 이는 일부 경우에 아미노산 위치 138에서 시작하는 영역 (예를 들어, AA139-736)이다.

[0039] AAV VP3 구조는 모든 혈청형에 공통인 고도로 보존된 영역, 코어 8-가닥 β-배럴 모티프 (βB-βI) 및 작은 α-나선 (αA)을 함유한다. β-가닥 사이에 삽입된 루프 영역은 β-가닥 H 및 I 사이에 독특한 HI 루프, β-가닥 D 및 E 사이에 DE 루프, 및 루프의 상부를 형성하는 9개의 가변 영역 (VR)으로 이루어진다. 이들 VR, 예컨대 AA588 루프는 캡시드 표면 상에 발견되며, 수용체 결합, 형질도입 및 항원 특이성을 포함한 AAV 생활 주기에서 특이적인 기능적 역할과 연관될 수 있다.

[0040] 예를 들어, 뇌 세포 유형 (예를 들어, 뇌 내피 세포, 뉴런, 성상세포) 및 간 세포 유형에 대해서를 포함한 특이적 세포-유형에서 형질도입에 대한 보다 높은 특이성을 특징으로 하는 바람직한 향성을 부여하는 588 루프에 치환을 갖는 AAV 캡시드 단백질을 포함하는 AAV 캡시드가 본원에 개시된다. 특히, 본원에 개시된 AAV 캡시드 단백질은 대상체의 뇌 또는 간에서 이종 핵산 (예를 들어, 트랜스진)의 rAAV-매개 형질도입을 가능하게 한다. 본 개시내용의 AAV 캡시드, 또는 AAV 캡시드 단백질은 제약 조성물로서 제제화될 수 있다. 또한, AAV 캡시드 또는 AAV 캡시드 단백질은 단리되고 정제되어 다양한 적용에 사용될 수 있다.

[0041] **A. 아데노-연관 바이러스 (AAV) 캡시드 단백질**

[0042] 변형된 캡시드 단백질 (예를 들어, VP1, VP2, VP3)을 갖도록 조작된 AAV 캡시드 단백질을 포함하는 재조합 AAV (rAAV) 캡시드가 본원에 개시된다. 일부 실시양태에서, 본 개시내용의 rAAV 캡시드 단백질은 본원에 개시된 방법 (예를 들어, M-CREATE)을 사용하여 생성된다. 일부 실시양태에서, AAV 캡시드 단백질은 치료 핵산 (예를 들어, 트랜스진)을 대상체에게 전달하는 방법에 사용된다. 일부 경우에, rAAV 캡시드 단백질은 그들을 특정 치료 적용, 예를 들어, 대상체에서의 질환 또는 장애, 예컨대 본원에 개시된 것들의 치료에 특히 적합하게 만드는 바

람직한 AAV 향성을 갖는다.

[0043] rAAV 캡시드 단백질, 예컨대 **표 2 내지 3, 및 도 33**에 제공된 것들은 대상체에의 rAAV의 전신 투여 시 대상체의 혈액 뇌 장벽 (BBB) 내로의 및 이를 통한 최적화된 진입을 위해 조작된다. 뇌에의 치료 트랜스진의 AAV-매개 전달의 이전의 방법은 두개내 주사를 필요로 하였다. 두개내 주사는 대상체 불편, 및 일부 경우에, 통증을 유발하는 침습적 절차이다. 예를 들어, 두개내 주사는 뇌의 출혈을 유발할 수 있다. 추가적으로, 두개내 전달은 제한된 확산을 가지며, 고도로 이질적이다. **표 2 내지 4**, 및 **도 33**에 제공된 rAAV 캡시드 단백질은 캡시드화된 트랜스진의 광범위하고 효율적인 형질도입을 또한 달성하면서, 두개내 주사에 대한 필요를 제거하는 향성을 갖도록 조작된다. 특히, 향성은 참조 AAV와 비교하여 대상체의 중추 신경계 (CNS)에서 (예를 들어, 바이러스 형질도입의) 증가된 특이성 및 효율 중 적어도 하나를 포함한다.

[0044] 본원에 기재된 조작된 AAV 캡시드 단백질은 일부 경우에 588 루프에서의 아미노산 위치에 모체 AAV 캡시드 단백질에 대해 이종인 아미노산의 삽입을 갖는다. 일부 실시양태에서, 아미노산은 삽입의 아미노산 위치에서 모체 AAV 캡시드 단백질에 대해 내인성이 아니다. 아미노산은 상이한 AAV 캡시드 단백질에서의 치환의 삽입과 동일하거나 등가의 아미노산 위치에서 천연 발생 아미노산일 수 있다.

[0045] 본원에 제공된 측면은 AA588_589에 삽입된 7 아미노산 중합체 (7-mer)를 포함하는 아미노산 삽입을 제공하며, 추가적으로 모체 AAV 캡시드 단백질의 588 루프에서 11 아미노산 중합체 (11-mer)를 생성하기 위해 7-mer 서열을 플랭킹하는 아미노산 위치 (예를 들어, AA587-588 및/또는 AA589-590)에 1 또는 2개의 아미노산의 치환을 포함할 수 있다. 본원에 기재된 7-mer은 축퇴성 프라이머로의 폴리머라제 연쇄 반응 (PCR)을 사용하여 유리하게 생성되었으며, 여기서 7 아미노산의 각각은 데옥시리보스 핵산 (DNA) 서열 N-N-K에 의해 코딩된다. "N"은 4가지 DNA 뉴클레오티드 중 임의의 것이고, K는 구아닌 (G) 또는 티민 (T)이다. 무작위 7-mer 아미노산 서열을 생성하는 이 방법은 단백질 수준에서 12억8천만개의 가능한 조합을 가능하게 한다. 개발된 7-mer은 무작위이기 때문에, 7-mer에서 일부 아미노산은 그 아미노산 위치에서 AAC 캡시드 단백질에서 천연 발생일 수 있는 반면, 다른 아미노산은 상이할 수 있다.

[0046] 다수의 트랜스제닉 동물에서 전신적으로 투여되는 경우, 트랜스제닉 동물의 표적 생체내 환경에서 리포터 유전자를 효과적으로 형질도입한 서열의 선택적 증폭 및 회수를 가능하게 한, 각각 588 루프에 고유한 7-mer 또는 11-mer을 갖고 각각 리포터 유전자를 캡시드화하는 재조합 AAV (rAAV)가 생성되었다. 표적 생체내 환경 (예를 들어, 중추 신경계, 간)에서 양성으로 풍부화된 것으로 밝혀진 7-mer 및 11-mer이 본원에 제공된다. "풍부화"는 트랜스제닉 동물에게 투여된 바이러스 라이브러리에서의 그의 만연도에 비해 생체내 환경의 조직에서의 주어진 7-mer 또는 11-mer의 만연도이다. 0 초과의 풍부화 점수는 양성 풍부화를 지시한다. 0 미만의 풍부화 점수는 음성 풍부화를 지시한다. 바람직한 풍부화 프로파일을 갖는 rAAV의 하위세트를 생체내에서 개별적으로 시험하여 정확한 전신 발현 (예를 들어, 특이성 및 형질도입 효율)을 결정하였다. 바이러스 형질도입의 증가된 특이성, 및 일부 경우에, 형질도입 효율을 포함하는 바람직한 향성을 나타내는 이 하위세트로부터의 rAAV는 폭넓게 다양한 목적 (예를 들어, 치료, 진단, 과학 발견)에 유용한 표적화된 rAAV-매개 트랜스진 전달에 고유하게 적합한 것으로 간주된다.

[0047] 본원에 기재된 7-mer 또는 11-mer을 갖는 rAAV 입자는 표적 생체내 환경 (예를 들어, 조직 또는 세포 유형)에서 증가된 형질도입 효율을 갖는다. 일부 경우에, 증가된 형질도입 효율은, 참조 AAV에 비해, 1배, 2배, 3배, 4배, 5배, 6배, 7배, 8배, 9배, 10배, 11배, 12배, 13배, 14배, 15배, 16배, 17배, 18배, 19배, 20배, 21배, 22배, 23배, 24배, 25배, 26배, 27배, 28배, 29배, 30배, 31배, 32배, 33배, 34배, 35배, 36배, 37배, 38배, 39배, 40배, 41배, 42배, 43배, 44배, 45배, 46배, 47배, 48배, 49배, 50배, 75배, 또는 100배 증가, 또는 그 초과를 포함한다. 일부 경우에, 증가된 형질도입 효율은 적어도 30배이다. 일부 경우에, 증가된 형질도입 효율은 적어도 40배이다. 일부 경우에, 증가된 형질도입 효율은 적어도 50배이다. 일부 경우에, 증가된 형질도입 효율은 적어도 60배이다. 일부 경우에, 증가된 형질도입 효율은 적어도 80배이다. 일부 경우에, 증가된 형질도입 효율은 적어도 90배이다. 일부 경우에, 증가된 형질도입 효율은 적어도 100배이다.

[0048] 본원에 기재된 7-mer 또는 11-mer을 갖는 rAAV 입자는 참조 AAV와 비교하여 표적 생체내 환경 (예를 들어, 조직 또는 세포 유형)에서 증가된 특이성을 갖는다. rAAV가 참조 AAV보다 표적 생체내 환경에 대해 더 많은 또는 더 적은 특이성을 갖는지 여부를 검출하는 것은 대상체에서 표적 생체내 환경으로부터 얻어진 조직 샘플에서 rAAV에 의해 캡시드화된 이종 핵산으로부터 발현된 유전자 발현 산물 (예를 들어, RNA 또는 단백질)의 수준을 측정하고; 측정된 수준을 대조군 수준 (예컨대, 예를 들어, 참조 AAV (예를 들어, AAV9)에 의해 캡시드화된 이종 핵산으로부터 발현된 유전자 발현 산물에 대한)과 비교하는 것을 포함한다. 유전자 발현 산물의 발현을 측정하기

위한 적합한 방법은 루시페라제 리포터 검정 및 정량적 폴리머라제 연쇄 반응 (qPCR)이다.

[0049] 증가된 특이성은 일부 경우에 **도 33 내지 35**에 본원에 제공된 풍부화 점수로 나타내어지는 표적 생체내 환경에서의 증가된 풍부화와 상관된다. 비-제한적 예로서, 뇌에서 양성으로 풍부화된 것으로 본원에 나타내어진 AAV-PHP.V2 (TTLKPFL) (~2.51의 풍부화 점수)는 또한 참조 AAV9 (~0%)와 비교하여 뇌 (피질 뇌 혈관구조 세포의 ~60% 및 리포터 유전자로 형질도입된 ~60% 피질 성상세포)에서 리포터 유전자 발현의 증가 (예를 들어, 형광 리포터 검정에 의해 측정됨)를 나타내었다. 특정 이론에 구애되지는 않지만, 본 개시내용의 발명자들은 본원에 개시된 모든 rAAV에 대한 이 상관관계를 알 것으로 예상될 것이고, 또한, 보다 유의한 풍부화 점수 (음성이든 양성이든)가 생체내 환경(들)에서 유전자 발현 산물의 측정된 수준에 의해 지시된 바와 같은 생체내 환경(들)에 대한 보다 유의한 특이성과 상관될 것임을 예상할 것이다.

[0050] 본원에 개시된 바와 같이, 형질도입 효율은 (1) 본원에 개시된 변형된 AAV 캡시드 단백질에 의해 캡시드화된 이종 핵산을 발현하는 표적 생체내 또는 오프-표적 생체내 환경에서의 세포의 수, 및 (2) 단일 세포에서 이종 핵산의 발현의 양 중 적어도 하나에 의해 측정될 수 있다. 표적 생체내 환경에 대한 특이성은 참조 AAV와 비교하여 표적 생체내 환경에서의 rAAV-매개 형질도입의 존재, 또는 그의 수준의 증가가 관찰되는 경우 추론될 수 있다. 오프-표적 생체내 환경에 대한 특이성의 결여, 또는 감소된 특이성은 참조 AAV와 비교하여 오프-표적 생체내 환경에서의 rAAV-매개 형질도입의 부재, 또는 그의 수준의 감소가 관찰되는 경우 추론될 수 있다.

[0051] 참조 AAV는 AAV1, AAV2, AAV3, AAV4, AAV5, AAV6, AAV7, AAV8, AAV9, AAV10, AAV11, AAV12, 또는 그의 변이체로 이루어진 군으로부터 선택되는 혈청형을 가질 수 있다. 예를 들어, 참조 AAV는 AAV-PHP.B, AAV-PHP.eB, 및 AAV-PHP.S로 이루어진 군으로부터 선택되는 혈청형을 가질 수 있다.

[0052] 본 개시내용의 rAAV 캡시드 단백질은 AAV 캡시드 단백질의 아미노산 서열에서 아미노산의 삽입을 포함한다. 본 개시내용의 조작된 AAV 캡시드 단백질이 생산되는 AAV 캡시드는 "모체" AAV 캡시드로 지칭된다. 일부 경우에, 모체 AAV는 AAV1, AAV2, AAV3, AAV4, AAV5, AAV6, AAV7, AAV8, AAV9, AAV10, AAV11, 및 AAV12로 이루어진 군으로부터 선택되는 혈청형을 갖는다. AAV-1의 완전한 게놈은 진뱅크(GenBank) 수탁 번호 NC_002077에 제공되고; AAV-2의 완전한 게놈은 진뱅크 수탁 번호 NC_001401 및 문헌 [Srivastava et al., J. Virol., 45: 555-564 (1983)]에 제공되고; AAV-3의 완전한 게놈은 진뱅크 수탁 번호 NC_1829에 제공되고; AAV-4의 완전한 게놈은 진뱅크 수탁 번호 NC_001829에 제공되고; AAV-5 게놈은 진뱅크 수탁 번호 AF085716에 제공되고; AAV-6의 완전한 게놈은 진뱅크 수탁 번호 NC_00 1862에 제공되고; AAV-7 및 AAV-8 게놈의 적어도 일부는 각각 진뱅크 수탁 번호 AX753246 및 AX753249에 제공되고; AAV -9 게놈은 문헌 [Gao et al., J. Virol., 78: 6381-6388 (2004)]에 제공되고; AAV-10 게놈은 문헌 [Mol. Ther., 13(1): 67-76 (2006)]에 제공되고; AAV-11 게놈은 문헌 [Virology, 330(2): 375-383 (2004)]에 제공되고; AAV-12 게놈의 일부는 진뱅크 수탁 번호 DQ813647에 제공되고; AAV-13 게놈의 일부는 진뱅크 수탁 번호 EU285562에 제공된다.

[0053] 일부 경우에, 모체 AAV는 AAV1, AAV2, AAV3, AAV4, AAV5, AAV6, AAV7, AAV8, AAV9, AAV10, AAV11, 및 AAV12로 이루어진 군으로부터 선택되는 혈청형을 갖는 AAV로부터 유래된다. 또 다른 것으로부터 "유래된" AAV 캡시드 단백질은 변이체 AAV 캡시드 단백질일 수 있다. 변이체는 예를 들어, AAV 캡시드 단백질의 아미노산 서열에서 이종 아미노산을 포함할 수 있다. 이종 아미노산은 AAV 캡시드 단백질에서 비-천연 발생일 수 있다. 이종 아미노산은 상이한 AAV 캡시드 단백질에서 천연 발생일 수 있다. 일부 경우에, 모체 AAV 캡시드는 미국 특허 출원 일련 번호 62/736,904; 16/582,635; 62/832,812; 및 62/832,826에 기재되어 있으며; 이들의 각각의 내용은 본원에 포함된다. 예를 들어, 모체 AAV 캡시드는 AAV 캡시드 단백질의 455 루프에서 변형될 수 있다 (예를 들어, AA452-458에서 7-mer의 치환, AAV9 VP1 넘버링).

[0054] 일부 경우에, 모체 AAV는 AAV9이다. 일부 경우에, AAV9 캡시드 단백질의 아미노산 서열은 서열식별번호: 1을 포함한다. AAV9 VP1 캡시드 단백질의 아미노산 서열 (>tr|Q6JC40|Q6JC40_9VIRU 캡시드 단백질 VP1 OS=아데노-연관 바이러스 9 OX=235455 GN=cap PE=1 SV=1)은 서열식별번호: 1 (MAADGYLPDWLEDNLSEGIREWWALKPGAPQPKANQQHQDNARGLVLPGYKYLGPGNGLDKGEPVNAADAAALEHDKAYDQQLKAGDNPYLKYNHADAEFQERLKEDTSFGGNLGRAVFQAKKRLLEPLGLVEEAAKTAPGKKRPVEQSPQEPDSSAGIGKSGAQPAKKRLNFGQTGDTESVPDPQPIGEPPAAPSGVGSLTMASGGGAPVADNNEGADGVGSSSGNWHCDSQWLGDRVITTSTRTWALPTYNNHLYKQISNSTSGGSSNDNAYFGYSTPWGYFDFNRFHCHFSPRDWQRLINNNWGFRPKRLNFKLFNIQVKEVTDNNGVKTIANNLTSTVQVFTDSDYQLPYVLGSAHEGCLPPFPADVFMIPQYGYLTLNDGSQAVGRSSFYCLEYFPSQMLRTGNNFQFSYEFENVPFHSSYAHSQSLDRLMNPLIDQYLYYLSKTINGSGQNQQTLKFSVAGPSNMAVQGRNYIPGPSYRQQRVSTTVTQNNNSEFAWPGASSWALNGRNSLMNPGPAMASHKEGEDRFFPLSGSLIFGKQGTGRDNVDADKVMITNEEEIKTTNPVATESYGQVATNHQSAQAQAQTGWVQNQGILPGMVWQDRDVYLQGPIWAKIPHTDGNFHPSPLMGGFGMKHPPPQILIKNTPVPADPPTAFNKDKLNSFITQYSTGQVSVEIEWELQKENSKRWNPEIQYTSNYYKSNNVEF

AVNTEGVYSEPRPIGTRYLTRNL)에 제공된다. 일부 경우에, 모체 AAV 캡시드 단백질 서열은 서열식별번호: 1과 70%, 75%, 80%, 85%, 90%, 91%, 92%, 93%, 94%, 95%, 96%, 97%, 98%, 99%, 또는 100% 상동성이다.

[0055] 아미노산 588 및 아미노산 589 사이의 아미노산 위치에 AAV 캡시드 단백질의 아미노산 서열에서 아미노산 (또는 아미노산 서열)의 삽입이 본원에 개시된다. 본원에 사용된 "AA588_589"는 아미노산 (또는 아미노산 서열)의 삽입이 모체 AAV VP 캡시드 단백질의 아미노산 서열 내의 위치 588에서의 아미노산 (AA)의 바로 뒤 및 위치 589에서의 AA 바로 뒤 (VP1 넘버링)임을 지시한다. 아미노산 587-591은 서열식별번호: 1에 제시된 바와 같은 "**AQAQA**"를 포함하는 모티프를 포함한다. 예시적인 AAV 캡시드 단백질 서열은 **표 1**에 제공된다. 예를 들어, QAVRTSL은 AAV9 캡시드 아미노산 서열에서 AA588_589에 삽입되고, 서열식별번호: 3에 제공된다. 또 다른 예에서, TLAVPFK는 AAV9 캡시드 아미노산 서열에서 AA588_589에 삽입되고, 서열식별번호: 2에 제공된다. 본원에 개시된 7-mer 삽입 (**도 33 내지 35**, **표 2 내지 4**)은 모체 AAV9 캡시드 단백질, 그의 변이체의 아미노산 서열에서 AA588_589, 또는 상이한 혈청형 (예를 들어, AAV1, AAV2, AAV3 등)의 모체 AAV의 등가의 아미노산 위치에 삽입될 수 있음이 상정된다.

[0056] 본원에 기재된 11-mer은 일부 경우에, AA588_589에 7-mer 삽입, 및 아미노산 위치 AA587-590에 1개 이상의 아미노산의 치환을 포함할 수 있다. 일부 경우에, 아미노산 587-590은 그 위치에서 모체 AAV 캡시드 단백질에 대해 내인성이 아닌 아미노산으로 치환된다. 일부 경우에, AA587은 D로 치환된다 (예를 들어, A587D). 일부 경우에, AA587은 A로 치환된다 (예를 들어, Q587A). 일부 경우에, AA587은 S로 치환된다 (예를 들어, Q587S). 일부 경우에, AA587은 G로 치환된다 (예를 들어, Q587G). 일부 경우에, AA588은 G로 치환된다 (예를 들어, Q588G). 일부 경우에, AA589는 N으로 치환된다 (예를 들어, A589N). 일부 경우에, AA590은 P로 치환된다 (예를 들어, A590). 비-제한적 예에서, 서열식별번호: 4 (PHP-AAV.eB)는 TLAVPFK의 AA588_AA589에 삽입, 및 치환 A587D 및 Q588G를 포함한다. 또 다른 비-제한적 예에서, 서열식별번호: 5 (PHP-AAV.N)는 TTLKPFS의 AA588_AA589에 삽입, 및 치환 A587D, Q588G, A589N, 및 Q590P를 포함한다. 아미노산 위치 587-590에서의 임의의 아미노산으로의 치환에 추가로 본원에 개시된 임의의 7-mer 삽입은 11-mer을 포함할 수 있음이 상정된다.

[0057] 표 1. 예시적인 AAV 캡시드 단백질 서열

SEQ ID NO:	식별자	서열
2	AAV-PHP.B	MAADGYLPDWLEDNLSEGIREWWALKPGAPQPKANQQHQDN ARGLVLPGYKYLGPGNGLDKGEPVNAADAAALEHDKAYDQQ LKAGDNPYLKYNHADAEFQERLKEDTSFGGNLGRAVFQAKK RLLEPLGLVEEAAKTAPGKKRPVEQSPQEPDSSAGIGKSGAQP AKKRLNFGQTGDTESVPDPQPIGEPPAAPSGVGSLTMASGGGA PVADNNEGADGVGSSSGNWHCDSQWLGDRVITTSTRTWALPT YNNHLYKQISNSTSGGSSNDNAYFGYSTPWGYFDFNRFHCHFS PRDWQRLINNNWGFRPKRLNFKLFNIQVKEVTDNNGVKTIAN NLTSTVQVFTDSDYQLPYVLGSAHEGCLPPFPADVFMIPQYGY LTLNDGSQAVGRSSFYCLEYFPSQMLRTGNNFQFSYEFENVPF HSSYAHSQSLDRLMNPLIDQYLYYLSRTINGSGQNQQTLKFSV AGPSNMAVQGRNYIPGPSYRQQRVSTTVTQNNNSEFAWPGAS SWALNGRNSLMNPGPAMASHKEGEDRFFPLSGSLIFGKQGTG RDNVDADKVMITNEEEIKTTNPVATESYGQVATNHQSAQ**TLA** **VPFK**AQAQTGWVQNQGILPGMVWQDRDVYLQGPIWAKIPHT DGNFHPSPLMGGFGMKHPPPQILIKNTPVPADPPTAFNKDKLN SFITQYSTGQVSVEIEWELQKENSKRWNPEIQYTSNYYKSNNV EFAVNTEGVYSEPRPIGTRYLTRNL
3	AAV-PHP.S	MAADGYLPDWLEDNLSEGIREWWALKPGAPQPKANQQHQDN ARGLVLPGYKYLGPGNGLDKGEPVNAADAAALEHDKAYDQQ LKAGDNPYLKYNHADAEFQERLKEDTSFGGNLGRAVFQAKK RLLEPLGLVEEAAKTAPGKKRPVEQSPQEPDSSAGIGKSGAQP AKKRLNFGQTGDTESVPDPQPIGEPPAAPSGVGSLTMASGGGA PVADNNEGADGVGSSSGNWHCDSQWLGDRVITTSTRTWALPT YNNHLYKQISNSTSGGSSNDNAYFGYSTPWGYFDFNRFHCHFS PRDWQRLINNNWGFRPKRLNFKLFNIQVKEVTDNNGVKTIAN NLTSTVQVFTDSDYQLPYVLGSAHEGCLPPFPADVFMIPQYGY LTLNDGSQAVGRSSFYCLEYFPSQMLRTGNNFQFSYEFENVPF HSSYAHSQSLDRLMNPLIDQYLYYLSRTINGSGQNQQTLKFSV AGPSNMAVQGRNYIPGPSYRQQRVSTTVTQNNNSEFAWPGAS SWALNGRNSLMNPGPAMASHKEGEDRFFPLSGSLIFGKQGTG RDNVDADKVMITNEEEIKTTNPVATESYGQVATNHQSAQ**QAV** **RTSL**AQAQTGWVQNQGILPGMVWQDRDVYLQGPIWAKIPHT DGNFHPSPLMGGFGMKHPPPQILIKNTPVPADPPTAFNKDKLN SFITQYSTGQVSVEIEWELQKENSKRWNPEIQYTSNYYKSNNV EFAVNTEGVYSEPRPIGTRYLTRNL

[0058]

4	AAV-PHP.eB	MAADGYLPDWLEDNLSEGIREWWALKPGAPQPKANQQHQDN ARGLVLPGYKYLGPGNGLDKGEPVNAADAAALEHDKAYDQQ LKAGDNPYLKYNHADAEFQERLKEDTSFGGNLGRAVFQAKK RLLEPLGLVEEAAKTAPGKKRPVEQSPQEPDSSAGIGKSGAQP AKKRLNFGQTGDTESVPDPQPIGEPPAAPSGVGSLTMASGGGA PVADNNEGADGVGSSSGNWHCDSQWLGDRVITTSTRTWALPT YNNHLYKQISNSTSGGSSNDNAYFGYSTPWGYFDFNRFHCHFS PRDWQRLINNNWGFRPKRLNFKLFNIQVKEVTDNNGVKTIAN NLTSTVQVFTDSDYQLPYVLGSAHEGCLPPFPADVFMIPQYGY LTLNDGSQAVGRSSFYCLEYFPSQMLRTGNNFQFSYEFENVPF HSSYAHSQSLDRLMNPLIDQYLYYLSRTINGSGQNQQTLKFSV AGPSNMAVQGRNYIPGPSYRQQRVSTTVTQNNNSEFAWPGAS SWALNGRNSLMNPGPAMASHKEGEDRFFPLSGSLIFGKQGTG RDNVDADKVMITNEEEIKTTNPVATESYGQVATNHQS**DGTLA** **VPFKAQ**AQTGWVQNQGILPGMVWQDRDVYLQGPIWAKIPHT DGNFHPSPLMGGFGMKHPPPQILIKNTPVPADPPTAFNKDKLN SFITQYSTGQVSVEIEWELQKENSKRWNPEIQYTSNYYKSNNV EFAVNTEGVYSEPRPIGTRYLTRNL
5	AAV-PHP.N	MAADGYLPDWLEDNLSEGIREWWALKPGAPQPKANQQHQDN ARGLVLPGYKYLGPGNGLDKGEPVNAADAAALEHDKAYDQQ LKAGDNPYLKYNHADAEFQERLKEDTSFGGNLGRAVFQAKK RLLEPLGLVEEAAKTAPGKKRPVEQSPQEPDSSAGIGKSGAQP AKKRLNFGQTGDTESVPDPQPIGEPPAAPSGVGSLTMASGGGA PVADNNEGADGVGSSSGNWHCDSQWLGDRVITTSTRTWALPT YNNHLYKQISNSTSGGSSNDNAYFGYSTPWGYFDFNRFHCHFS PRDWQRLINNNWGFRPKRLNFKLFNIQVKEVTDNNGVKTIAN NLTSTVQVFTDSDYQLPYVLGSAHEGCLPPFPADVFMIPQYGY LTLNDGSQAVGRSSFYCLEYFPSQMLRTGNNFQFSYEFENVPF HSSYAHSQSLDRLMNPLIDQYLYYLSRTINGSGQNQQTLKFSV AGPSNMAVQGRNYIPGPSYRQQRVSTTVTQNNNSEFAWPGAS SWALNGRNSLMNPGPAMASHKEGEDRFFPLSGSLIFGKQGTG RDNVDADKVMITNEEEIKTTNPVATESYGQVATNHQS**AQTLA** **VPFSNP**AQTGWVQNQGILPGMVWQDRDVYLQGPIWAKIPHT DGNFHPSPLMGGFGMKHPPPQILIKNTPVPADPPTAFNKDKLN SFITQYSTGQVSVEIEWELQKENSKRWNPEIQYTSNYYKSNNV EFAVNTEGVYSEPRPIGTRYLTRNL

[0059]

[0060] 본원에 기재된 rAAV 캡시드 단백질은 단리되고 정제될 수 있다. AAV는 관련 기술분야에서 표준인 방법에 의해, 예컨대 칼럼 크로마토그래피 또는 염화세슘 구배에 의해 단리되고 정제될 수 있다. 헬퍼 바이러스로부터 AAV를 정제하는 방법은 관련 기술분야에 공지되어 있으며, 예를 들어, 문헌 [Clark et al., Hum. Gene Ther., 10(6): 1031-1039 (1999)]; [Schenpp and Clark, Methods Mol. Med., 69: 427-443 (2002)]; 미국 특허 번호 6,566,118 및 WO 98/09657에 개시된 방법을 포함할 수 있다.

[0061] rAAV 캡시드 단백질은 나노입자, 제2 분자, 또는 바이러스 캡시드 단백질에 접합될 수 있다. 일부 경우에, 나노입자 또는 바이러스 캡시드 단백질은 본원에 기재된 치료 핵산을 캡시드화할 것이다. 일부 경우에, 제2 분자는 치료제, 예를 들어, 소분자, 항체, 항원-결합 단편, 펩티드, 또는 단백질, 예컨대 본원에 기재된 것들이다. 일부 경우에, 제2 분자는 검출가능한 모이어티이다. 예를 들어, 검출가능한 모이어티에 접합된 변형된 AAV 캡시드 단백질은 시험관내, 생체외, 또는 생체내 생의학적 연구 적용에 사용될 수 있으며, 검출가능한 모이어티는 변형된 캡시드 단백질을 가시화하는데 사용된다. 검출가능한 모이어티에 접합된 변형된 AAV 캡시드 단백질은 또한 진단 목적에 사용될 수 있다.

[0062] ***중추 신경계를 표적화하는 AAV 캡시드 단백질***

[0063] 심지어 전신적으로 전달되는 경우에도, 대상체에서 중추 신경계 (CNS) 또는 말초 신경계 (PNS)에 대한 증가된 특이성을 부여하는 모체 AAV 캡시드 단백질에서 상기 기재된 아미노산 위치에 적어도 1개의 아미노산의 치환 또는 삽입을 갖는 AAV 캡시드 단백질이 본원에 개시된다. 본원에 기재된 AAV 캡시드 단백질의 많은 이점 중 하나는 CNS를 표적화하고 혈액 뇌 장벽 (BBB)을 침투하는 그들의 능력이다.

[0064] 생체내 환경은 세포일 수 있다. 세포는 중추 신경계 (CNS) 세포 및 말초 신경계 (PNS) 세포로 이루어진 군으로부터 선택되는 세포-유형일 수 있다. CNS 세포의 비-제한적 예는 뉴런 및 아교 세포를 포함한다. 아교 세포는 핍지교세포, 상의 세포, 및 성상세포로 이루어진 군으로부터 선택될 수 있다. PNS 세포의 비-제한적 예는 뉴런 또는 아교 세포를 포함한다. 아교 세포는 슈반 세포, 위성 세포, 및 장 아교 세포로 이루어진 군으로부터 선택

될 수 있다.

[0065] 생체내 환경은 조직일 수 있다. 조직은 뇌, 또는 척수일 수 있다. 조직은 기관의 영역, 예를 들어, 대뇌, 소뇌, 뇌간, 피질, 선조체, 시상, 측뇌실, 피각, 시상하부, 연수, 교뇌, 해마, 편도, 운동 피질, 또는 이들의 조합일 수 있다.

[0066] 모체 AAV 캡시드 단백질에서 적어도 1개의 아미노산 삽입 또는 치환을 갖는 AAV 캡시드 단백질이 본원에 개시된다. 삽입 또는 치환은 적어도 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 또는 11개의 아미노산, 또는 그 초과의 것일 수 있다. 일부 경우에, 아미노산은 인접한다. 일부 경우에, 아미노산은 인접하지 않는다.

[0067] 일부 경우에, 적어도 1개의 아미노산의 삽입은 **표 2 내지 3**, 또는 **도 6** 중 어느 하나에 제공된 서열 중 어느 하나에 제공된다. 일부 경우에, 삽입은 **표 2 내지 3**, 또는 **도 6** 중 어느 하나에 제공된 서열 중 어느 하나에 제공된 적어도 2개의 아미노산의 것이다. 일부 경우에, 삽입은 **표 2 내지 3**, 또는 **도 6** 중 어느 하나에 제공된 서열 중 어느 하나에 제공된 적어도 3개의 아미노산의 것이다. 일부 경우에, 삽입은 **표 2 내지 3**, 또는 **도 6** 중 어느 하나에 제공된 서열 중 어느 하나에 제공된 적어도 4개의 아미노산의 것이다. 일부 경우에, 삽입은 **표 2 내지 3**, 또는 **도 6** 중 어느 하나에 제공된 적어도 5개의 아미노산의 것이다. 일부 경우에, 삽입은 **표 2 내지 3**, 또는 **도 6** 중 어느 하나에 제공된 적어도 6개의 아미노산의 것이다. 일부 경우에, 삽입은 **표 2 내지 3**, 또는 **도 6** 중 어느 하나에 제공된 적어도 7개의 아미노산의 것이다.

[0068] 적어도 1개의 아미노산 X1의 삽입을 갖는 AAV 캡시드 단백질이 본원에 개시되며, 여기서 X1은 A, E, D, G, R, S 및 T로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 경우에, 삽입은 2개의 아미노산을 추가로 포함하며, 여기서 X2는 A, G, I, L, M, N, Q, R, T, 및 Y로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 경우에, 삽입은 3개의 아미노산을 추가로 포함하며, 여기서 X3은 E, K, L, T, 및 Q로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 경우에, 삽입은 적어도 4개의 아미노산을 추가로 포함하며, 여기서 X1은 A, E, D, G, R, S 및 T로 이루어진 군으로부터 선택되고, X2는 A, G, I, L, M, N, Q, R, T, 및 Y로 이루어진 군으로부터 선택되고, X3은 E, K, L, T, 및 Q로 이루어진 군으로부터 선택되고, X4는 G, I, K, L, M, R, T, 및 V로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 경우에, 삽입은 5개의 아미노산을 추가로 포함하며, 여기서 X5는 A, D, G, P, L, Q, 및 V로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 경우에, 삽입은 적어도 6개의 아미노산을 추가로 포함하며, 여기서 X6은 F, K, L, N, P, Q, S, 및 V로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 경우에, 삽입은 적어도 7개의 아미노산을 추가로 포함하며, 여기서 X7은 K, L, P, S, 및 V로 이루어진 군으로부터 선택된다.

[0069] 일부 실시양태에서, X1, X2, X3, X4, X5, X6, 및 X7은 인접한다 (X1-X2-X3-X4-X5-X6-X7). 일부 실시양태에서, X1, X2, X3, X4, X5, X6, 및 X7 중 임의의 2개는 인접한다. 일부 실시양태에서, X1, X2, X3, X4, X5, X6, 및 X7 중 임의의 3개는 인접한다. 일부 실시양태에서, X1, X2, X3, X4, X5, X6, 및 X7 중 임의의 4개는 인접한다. 일부 실시양태에서, X1, X2, X3, X4, X5, X6, 및 X7 중 임의의 5개는 인접한다. 일부 실시양태에서, X1, X2, X3, X4, X5, X6, 및 X7 중 임의의 6개는 인접한다. 일부 실시양태에서, X1, X2, X3, X4, X5, X6, 및 X7 중 임의의 7개는 인접한다. 일부 실시양태에서, X1, X2, X3, X4, X5, X6, 및 X7은 인접하지 않는다. 일부 실시양태에서, 삽입은 TLAVPFK가 아니다.

[0070] 본원에 개시된 7-mer은 일부 경우에 공통 모티프를 공유한다. 7-mer (X1-X2-X3-X4-X5-X6-X7)은 일부 경우에 유리하게는 위치 X1에 T, 위치 X2에 L, 위치 X5에 P, 위치 X6에 F, 및 위치 X7에 K 또는 L을 가질 수 있다. 일부 실시양태에서, 7-mer은 T-L-X3-X4-P-F-K를 포함하며, 여기서 X3 및 X4는 임의의 아미노산이다. 일부 실시양태에서, 7-mer은 T-L-X3-X4-P-F-L을 포함하며, 여기서 X3 및 X4는 임의의 아미노산이다. 일부 경우에, X3은 A가 아니다. 일부 경우에, X3은 A, S, Q, 또는 E 또는 L이다. 일부 경우에, X4는 V가 아니다. 일부 경우에, X4는 R, K, V, 또는 Q이다.

[0071] 일부 경우에, 7-mer은 X1-L-A-V-P-F-K (여기서 X1은 T, S, 또는 N 이외의 임의의 아미노산임); X1-X2-A-V-P-F-K (여기서 X1은 T, S, 또는 N 이외의 임의의 아미노산이고, X2는 L 또는 V 이외의 임의의 아미노산임); 또는 X1-X2-X3-V-P-F-K (여기서 X1은 T, S, 또는 N 이외의 임의의 아미노산이고, X2는 L 또는 V 이외의 임의의 아미노산이고, X3은 A, S, Q, P, 또는 T 이외의 임의의 아미노산임); 또는 X1-X2-X3-X4-P-F-K (여기서 X1은 T, S, 또는 N 이외의 임의의 아미노산이고, X2는 L 또는 V 이외의 임의의 아미노산이고, X3은 A, S, Q, P, 또는 T 이외의 임의의 아미노산이고, X4는 V, T, Q, N, L, 또는 M 이외의 임의의 아미노산임)일 수 있다. 일부 경우에, 7-mer은 T-L-A-X4-P-F-K이며, 여기서 X는 V 이외의 임의의 아미노산이다. 일부 경우에, 7-mer은 T-L-A-X4-P-F-K이며, 여기서 X는 T, Q, N, L, 또는 M 이외의 임의의 아미노산이다.

[0072] 일부 경우에, 7-mer (X1-X2-X3-X4-X5-X6-X7)은 TALKPFL을 포함한다. 일부 경우에, 7-mer은 TTLKPFL을 포함한다. 일부 경우에, 7-mer은 TLQIPFK를 포함한다. 일부 경우에, 7-mer은 TMQKPFI를 포함한다. 일부 경우에, 7-mer은 SIERPFK를 포함한다. 일부 경우에, 7-mer은 RYQGDSV를 포함한다.

[0073] 일부 경우에, AAV 캡시드 단백질은 모체 AAV9 캡시드 단백질 (서열식별번호: 1)에서 아미노산 위치 588_589에 아미노산 서열 T-X2-L-K-P-F-L의 적어도 또는 약 3, 4, 5, 6, 또는 7개의 아미노산의 삽입을 포함하며, 여기서 X2는 A 또는 T이다. 일부 경우에, AAV 캡시드 단백질은 참조 AAV (예를 들어, AAV9)와 비교하여 뇌 혈관 세포 (GLUT1+)에서 바이러스 형질도입에 대한 증가된 특이성을 갖는다. 일부 경우에, AAV 캡시드 단백질은 참조 AAV (예를 들어, AAV9)와 비교하여 성상세포에서 바이러스 형질도입에 대한 증가된 특이성을 갖는다.

[0074] 일부 경우에, AAV 캡시드 단백질은 모체 AAV9 캡시드 단백질 (서열식별번호: 1)에서 아미노산 위치 588_589에 아미노산 서열 T-X2-Q-X4-P-F-X7의 적어도 또는 약 3, 4, 5, 6, 또는 7개의 아미노산의 삽입을 포함하며, 여기서 X2는 L 또는 M이고; X4는 I, K, 또는 L이고; X7은 K 또는 I이다. 일부 경우에, AAV 캡시드 단백질은 참조 AAV (예를 들어, AAV9)와 비교하여 뉴런 및 성상세포에서 바이러스 형질도입에 대한 증가된 특이성을 갖는다. 일부 경우에, 아미노산 서열은 TLQIPFK이다. 일부 경우에, 아미노산 서열은 TMQKPFI이다. 일부 경우에, 아미노산 서열은 TLQLPFK이다.

[0075] 일부 경우에, AAV 캡시드 단백질은 모체 AAV9 캡시드 단백질 (서열식별번호: 1)에서 아미노산 위치 588_589에 아미노산 서열 S-I-E-R-P-F-K의 적어도 또는 약 3, 4, 5, 6, 또는 7개의 아미노산의 삽입을 포함한다. 일부 경우에, AAV 캡시드 단백질은 참조 AAV (예를 들어, AAV9)와 비교하여 뉴런 및 성상세포에서 바이러스 형질도입에 대한 증가된 특이성을 갖는다.

[0076] 일부 경우에, AAV 캡시드 단백질은 모체 AAV9 캡시드 단백질 (서열식별번호: 1)에서 아미노산 위치 588_589에 아미노산 서열 R-Y-Q-G-D-S-V의 적어도 또는 약 3, 4, 5, 6, 또는 7개의 아미노산의 삽입을 포함한다. 일부 경우에, AAV 캡시드 단백질은 참조 AAV (예를 들어, AAV9)와 비교하여 성상세포에서 바이러스 형질도입에 대한 증가된 특이성을 갖는다.

[0077] 표 2: 보다 큰 효율 및 특이성으로 CNS를 표적화할 수 있는 7-mer 표적화 펩티드의 목록

SEQ ID NO	서열 (7mer 아미노 산)	SEQ ID NO	7 mer 아미노 산	뇌-평균-풍부화 (log10)
10	ACGTTGCAGATTCCTTTTAAG	435	TLQIPFK	2.730563
11	ACCGCCCTCAAACCCTTCCTC	436	TALKPFL	2.536397
12	ACCACCCTCAAACCCTTCCTC	437	TTLKPFL	2.513839
13	AGCATCGAAAGACCCTTCAAA	438	SIERPFK	2.357132
14	ACCCAAAACAGACCCTTCCTC	439	TQNRPFL	2.22812
15	ACCATGCAAAAACCCTTCATC	440	TMQKPFI	2.165359
16	ACTAGTACGCGGCCGTTTTTG	441	TSTRPFL	2.14357
17	GGCACCTTCGTCCCCCCCACC	442	GTFVPPT	2.110151
18	TGGTCGACTAATGCGGGTTAT	443	WSTNAGY	1.979177
19	ACCCTCGAAAGACCCTTCACC	444	TLERPFT	1.892846
20	ACTGCTGCTAAGCCGTTTCTG	445	TAAKPFL	1.863541
21	ATTAGGATTGGTTATTCGCAG	446	IRIGYSQ	1.835644
22	GAGCGTGTGGGTTTTGCTCAG	447	ERVGFAQ	1.73803
23	GCCGACCTCCTCAACTACAGA	448	ADLLNYR	1.599571
24	CTCGTCGCCGGCTTCAGCCAA	449	LVAGFSQ	1.591793
25	TCGTCTCTGAAGCCTTTTCTG	450	SSLKPFL	1.574365
26	ACGCATTCTAGGCCGTTTATT	451	THSRPFI	1.566468
27	CCTTTTCCTGGTTATTCTGCG	452	PFPGYSA	1.555967
28	ATTATTGTTGGGTATAGTCAG	453	IIVGYSQ	1.515858
29	AGGTATCAGGGTGATTCTGTT	454	RYQGDSV	1.486197
30	AGGTATGCTGGGGATTCTATT	455	RYAGDSI	1.456352
31	AAGACGATTGGGGAGCATTGG	456	KTIGEHW	1.44094
32	TGGATGACGCATGGTTCTGCG	457	WMTHGSA	1.432726
33	GCTGCTTCGAGGCCGTTTCTT	458	AASRPFL	1.3791
34	ACTACTTCTAGGCCGTTTCTT	459	TTSRPFL	1.353519
35	GCTCGTGTGGGTTTGGCTCAG	460	ARVGLAQ	1.345499
36	GGGACTAGTCCGAATCTTGCG	461	GTSPNLA	1.306429
37	GTGCGTACGGGGTATAGTTCT	462	VRTGYSS	1.302979
38	ATTCGGGTGGGGTATAGTTCT	463	IRVGYSS	1.286795

[0078]

39	ACTACTTTGCGTCCGTTTATT	464	TTLRPFI	1.284391
40	GGTATTACGTCTCTGTTTAAG	465	GITSLFK	1.251837
41	ACCACCCAAACCCCCTTCAGA	466	TTQTPFR	1.192121
42	ACTGTGTCGAGGCCGTTTTTG	467	TVSRPFL	1.171604
43	TATGGGACGAATCCGTTTCGT	468	YGTNPFR	1.13664
44	CCCACCATGGTCGACAGCAGC	469	PTMVDSS	1.099202
45	AATAAGGCTAGTTCTCAGAAT	470	NKASSQN	1.084711
46	ACTTTTCGTAGTTCGAATGAT	471	TFRSSND	1.032118
47	CTGCCGGATCGTTATCCTAAT	472	LPDRYPN	1.019382
48	CAGAATGTTACGAAGGGTGTT	473	QNVTKGV	1.000865
49	GCTCAGTCTCCGATTCTTCGG	474	AQSPILR	0.979922
50	GTGGCTACTGGTTATTCTTCG	475	VATGYSS	0.978116
51	TTGAATTCGAATCGGCCTAAT	476	LNSNRPN	0.9672
52	ACGATTCGTAATAATACGATT	477	TIRNNTI	0.959641
53	GATCTTAGTCGTATTTTTAAG	478	DLSRIFK	0.950386
54	CTCAGCAACAGCGCCAGCCAA	479	LSNSASQ	0.941212
55	CTCGAAAACATGGTCATGAGC	480	LENMVMS	0.937552
56	TTGACTCAGCAGACGGATGTT	481	LTQQTDV	0.936974
57	GCCGGCCTCGCCCACGCCACC	482	AGLAHAT	0.936046
58	AATGCTCATACTGCGCTGGAT	483	NAHTALD	0.933184
59	TGGCCGATTCTTCGGGCTGAT	484	WPILRAD	0.931545
60	GCGCTGGCTGGTCTGTCTCTG	485	ALAGLSL	0.930454
61	CGTATTGATATGCCTTTTAAG	486	RIDMPFK	0.920205
62	ACGATGTCGTTGAGTAGTAGT	487	TMSLSSS	0.919718
63	CAAAACGTCGCCAAAAACCTC	488	QNVAKNL	0.916602
64	TTCGACAACCCCAACAACGTC	489	FDNPNNV	0.915503
65	GTCCTCATGAGAGAAAGCCTC	490	VLMRESL	0.914386
66	CACCACGACACCGGCAGCGCC	491	HHDTGSA	0.912951
67	GATGCGCCGAATAGTGTGGAT	492	DAPNSVD	0.901999
68	ACTGCGAGTAGGGATGCTAAG	493	TASRDAK	0.889552
69	ACTAATTATACGAAGCAGATT	494	TNYTKQI	0.889024
70	CCTCATAATGCTTCTGTGTTG	495	PHNASVL	0.864707
71	ACCAACAACACCAGAAACATC	496	TNNTRNI	0.862873
72	ATGGTTCCTAATCATTCTGGT	497	MVPNHSG	0.859604
73	CCGGTGCCGCAGTCTGAGCAT	498	PVPQSEH	0.852761
74	CTCTACCACGGCGGCAGCACC	499	LYHGGST	0.851158

[0079]

75	ATGATTCATACTAGGGAGACG	500	MIHTRET	0.850116
76	ACTAATAATACGAAGCCTCTT	501	TNNTKPL	0.849557
77	CTCAACACCACCAGAAACACC	502	LNTTRNT	0.839304
78	GCTTTGCATAATTCTCAGAAT	503	ALHNSQN	0.827469
79	GTGAATAGTACGAGGAATGTT	504	VNSTRNV	0.826565
80	GGTGTTGGGGTTGTTACGAAG	505	GVGVVTK	0.820556
81	GTTTTGTCGAAGCAGTTGGCT	506	VLSKQLA	0.816495
82	TCTAAGTCTCTGCAGCCGTTG	507	SKSLQPL	0.815502
83	TCGAATTCTACGCGGTTGGTT	508	SNSTRLV	0.815119
84	CTCAACCAAACCAAACAAATC	509	LNQTKQI	0.811665
85	AACAACAGCGTCAGACAACTC	510	NNSVRQL	0.806765
86	ATGTCGGGGTATTCGCATACT	511	MSGYSHT	0.804194
87	GTCAAAGTCCCCATCATCACC	512	VKVPIIT	0.799412
88	GGGAATAATACTCGGGCGGTG	513	GNNTRAV	0.797634
89	CAGAATCAGATTAAGAATATT	514	QNQIKNI	0.797303
90	ACCAACATGACCAAACCCCTC	515	TNMTKPL	0.791064
91	AACAACAGCACCAGACTCAGC	516	NNSTRLS	0.790429
92	AGCATGCTCACCAGCATCGTC	517	SMLTSIV	0.790252
93	CTCAACGCCACCGCCAGCAGA	518	LNATASR	0.785269
94	AATACTGGGGTGCAGGTTAGG	519	NTGVQVR	0.785026
95	ACCAACACCGTCAGACCCATC	520	TNTVRPI	0.780569
96	CAGTCTACGCCGGGGGCTACT	521	QSTPGAT	0.779842
97	GGTCATTCTGAGAATTCTCGT	522	GHSENSR	0.778724
98	CTCCCCACCCAAACCCTCAGA	523	LPTQTLR	0.773756
99	AAGAATGCTCCGATGCCTGAT	524	KNAPMPD	0.772397
100	AGCAACAGCACCAAACCCACC	525	SNSTKPT	0.768053
101	CCTATTATTACTATGCCTGCT	526	PIITMPA	0.767318
102	CCCCTCAAAGGCATCGGCAGC	527	PLKGIGS	0.767253
103	GTCCTCAGCGTCAACCACCTC	528	VLSVNHL	0.765014
104	AGTGTGGCTGCTGTGCATATG	529	SVAAVHM	0.764013
105	AGCAACAGCATCAGACTCGTC	530	SNSIRLV	0.763114
106	CATAATGATACTCGTCCTCTT	531	HNDTRPL	0.759962
107	CCTCCGGTGAGGTCTACGGCT	532	PPVRSTA	0.755777
108	ATGAACACCGTCAGAAACCTC	533	MNTVRNL	0.754463
109	TTGACGGATGGTCATCGGATT	534	LTDGHRI	0.754429
110	ACGAATGCGGTGAAGCTGACT	535	TNAVKLT	0.752766

[0080]

111	CGTGTGGATGCGGTTTTGAGT	536	RVDAVLS	0.750458
112	ACCAACGCCGTCAAAAGCACC	537	TNAVKST	0.749271
113	ATGCTCAACACCACCGCCAGA	538	MLNTTAR	0.747921
114	GGCAACAACACCAGACCCACC	539	GNNTRPT	0.747523
115	CAGTCTGGGGGTAGTGCGTTG	540	QSGGSAL	0.744332
116	GTGATTGCTTTGTCTACTATG	541	VIALSTM	0.743901
117	CTGAATACGATTCGGAATGTG	542	LNTIRNV	0.743811
118	AGCAACGCCACCAGAAGCGTC	543	SNATRSV	0.740235
119	GGCAACGGCACCAAATTCATC	544	GNGTKFI	0.736944
120	AGCAACACCATCAGACCCGTC	545	SNTIRPV	0.736197
121	AGCAACAGCACCAGAGCCATC	546	SNSTRAI	0.734716
122	TTTCATTTGACTGATAGGGGT	547	FHLTDRG	0.733831
123	CCGATTAGGTCGGATACTGTG	548	PIRSDTV	0.731286
124	GCCAACCAAATCCACAACACC	549	ANQIHNT	0.730071
125	TCGAATACGGTTCGGAATACT	550	SNTVRNT	0.727807
126	ACCAGCCTCGGCTACAGCAGC	551	TSLGYSS	0.727167
127	ATCAGCGGCGTCCAAACCAGA	552	ISGVQTR	0.724309
128	TCGAATGCTGTTAGGCAGACT	553	SNAVRQT	0.72361
129	TCTCTTTCTGAGCTTAGGATT	554	SLSELRI	0.723061
130	AGTACTGAGAAGAGGGATGAG	555	STEKRDE	0.721349
131	AACCTCGTCGGCACCCTCATC	556	NLVGTLI	0.72103
132	GGCAACAACATCAGACTCACC	557	GNNIRLT	0.719643
133	GCCGTCCCCACCGGCCTCAGA	558	AVPTGLR	0.717951
134	GGTGATAATAGTCTGACTAGG	559	GDNSLTR	0.717624
135	CACGCCGACAACAGACTCAAA	560	HADNRLK	0.714815
136	AGCAACGCCACCAGAAACTTC	561	SNATRNF	0.714052
137	GGGAATACGACTAGGGGGCTG	562	GNTTRGL	0.713945
138	CTCAACCTCACCGCCACCAAC	563	LNLTATN	0.71358
139	AGCGGCGTCAGCACCACCGAC	564	SGVSTTD	0.711249
140	TATGCTAAGACGTTGGCTATG	565	YAKTLAM	0.710703
141	ATGAACCACACCAAACCCACC	566	MNHTKPT	0.710702
142	GCTAATGCTACGAGGAATTCT	567	ANATRNS	0.707423
143	CAAAACCAAACCAAAATCACC	568	QNQTKIT	0.707235
144	TCTAATGCTATTAAGGCTACG	569	SNAIKAT	0.70699
145	TATCCTGATAATTATGGTAAG	570	YPDNYGK	0.706343
146	GGCAACACCACCATCAGAAGC	571	GNTTIRS	0.705947

[0081]

147	CTGGGTCTTACGGGTGCGGTT	572	LGLTGAV	0.705628
148	GCGAATAGTACGCGTATTCTG	573	ANSTRIL	0.704068
149	GATAATGCGATTCGTGCGCAG	574	DNAIRAQ	0.703945
150	ACGAATTATACTAAGCTTATG	575	TNYTKLM	0.702916
151	CATAATAGTCCTAGTAGTTAT	576	HNSPSSY	0.70154
152	GAGAATATGGTTCGGTCTGTG	577	ENMVRSV	0.700139
153	ACCAACAACATCAAAAGCTAC	578	TNNIKSY	0.698201
154	ACTAATTCGACGAGGCCTGTG	579	TNSTRPV	0.696679
155	CATACGGCTCCGCCTCATCCT	580	HTAPPHP	0.695156
156	GCCCTCAGCCAAAACACCAGC	581	ALSQNTS	0.692869
157	CCGAATGTGACTAAGAATGCT	582	PNVTKNA	0.692038
158	CTTGATACGCTGACGGGTTAT	583	LDTLTGY	0.690142
159	CCTAATAGTGTGCGTTCTGTT	584	PNSVRSV	0.689082
160	ACCAGCAGCCACCTCCCCCAC	585	TSSHLPH	0.688469
161	GTTCTTCATGGTGGTAATGAT	586	VLHGGND	0.687991
162	AGCAACTACGTCAAAAGCGCC	587	SNYVKSA	0.687276
163	GACAACAACAGCACCAGATGG	588	DNNSTRW	0.687057
164	ACTGTGATGAAGGGTTTTACT	589	TVMKGFT	0.687036
165	AGCCACACCCTCAGCACCCTC	590	SHTLSTL	0.686592
166	CCTGGTCCTCAGCAGGCGAAG	591	PGPQQAK	0.685365
167	ACTTTTGGGACGTCTAAGTTG	592	TFGTSKL	0.684153
168	AGCAACGCCGTCACCAACAGA	593	SNAVTNR	0.683838
169	TTGTCTATGTCGACGGTGCCT	594	LSMSTVP	0.682136
170	AGGCGTTATGATGGTAGGGAG	595	RRYDGRE	0.681722
171	ACCAACAGCACCAAAAACATC	596	TNSTKNI	0.678439
172	ATTAATGCTCAGTGGTCTGCG	597	INAQWSA	0.672085
173	GCCCAAACCAGCAACGACCCC	598	AQTSNDP	0.669325
174	ACGAATGAGACTAGGATGGTG	599	TNETRMV	0.669307
175	GCCAACGCCACCAGAGGCGTC	600	ANATRGV	0.667153
176	GCGGATGTGAATGCTTCGGGT	601	ADVNASG	0.666574
177	CTTAGTGAGCGGAATTATGTG	602	LSERNYV	0.665675
178	AGTGGTGAGCTTGCGCGGGCG	603	SGELARA	0.663381
179	GGGAATACTGCTAAGAATATT	604	GNTAKNI	0.662988
180	GACAACGCCGTCAGACCCCTC	605	DNAVRPL	0.662435
181	ATGATGCTCAGCGGCCTCAAC	606	MMLSGLN	0.660837
182	CCCAACACCATCAGAAACGTC	607	PNTIRNV	0.660528

[0082]

183	GAGAATTTGACGCGTGGGGTG	608	ENLTRGV	0.659884
184	TTTAGTGCTCGGAGTACGGGG	609	FSARSTG	0.659095
185	GAAAACGCCACCAGAACCTAC	610	ENATRTY	0.657305
186	GGCAACAGCACCAGAATGAAC	611	GNSTRMN	0.656999
187	GGGAATTCTACTAAGTCTCCT	612	GNSTKSP	0.656908
188	ATGCAAACCACCCTCCACCTC	613	MQTTLHL	0.656525
189	AACCCCACCCTCATCACCCTC	614	NPTLITL	0.655924
190	CTTATTTCTGGTCATGCGCAG	615	LISGHAQ	0.655121
191	TTCAACCAAGTCAGAAGCCTC	616	FNQVRSL	0.65493
192	ATGAACATCCTCAGAGAAGTC	617	MNILREV	0.654097
193	AGTGCTATGATGCGTGGTGTT	618	SAMMRGV	0.653566
194	CCCATGCTCAGCAGCCCCAGC	619	PMLSSPS	0.652269
195	CAGAATAATACGCTTAGGTCG	620	QNNTLRS	0.651653
196	AGGCATTCGGATCCGGTGGAG	621	RHSDPVE	0.65144
197	GTGAATACGACGTTTTCTACG	622	VNTTFST	0.65142
198	ATCAACAGCACCAGAGGCATC	623	INSTRGI	0.650374
199	ACCAACGCCGTCAGAGACCTC	624	TNAVRDL	0.649865
200	TCTAATAGTACTAGGCTGTCG	625	SNSTRLS	0.649567
201	ACGTCTATTGCTGGGTCGTTT	626	TSIAGSF	0.647793
202	CTCGGCAGCACCTACCCCAGA	627	LGSTYPR	0.644533
203	GCCAACGTCACCACCCAAAGA	628	ANVTTQR	0.643299
204	AGCAACAGCGTCAGACTCAGC	629	SNSVRLS	0.641635
205	GCTACGAATGAGCCTGATCGG	630	ATNEPDR	0.641008
206	AGAATGAACCCCGAACAAAGC	631	RMNPEQS	0.640866
207	TCGGTTAGTGGTTCGGCTAAT	632	SVSGSAN	0.640362
208	CCGAGTAATAGTACTACGCGT	633	PSNSTTR	0.639664
209	CTTTTTCATGGTACGCATGAG	634	LFHGTHE	0.639176
210	CCCCAACTCGGCAGCACCAAA	635	PQLGSTK	0.638022
211	CCCATCAGCGCCAACAGACTC	636	PISANRL	0.637814
212	AATTCGGGTAATCTTTCTATG	637	NSGNLSM	0.637206
213	AAGGTTGAGGCTATTGGGATG	638	KVEAIGM	0.63585
214	AAGACTTTGCTTAATAGTGTT	639	KTLLNSV	0.635567
215	AATGCTATGGATCTTAAGGTG	640	NAMDLKV	0.633592
216	ATGATGGGTAATGGGTCTTCG	641	MMGNGSS	0.632846
217	AGCAACAGCACCAAAGCCCTC	642	SNSTKAL	0.630646
218	TCTAATAGTACGCGGGGTACG	643	SNSTRGT	0.630359

[0083]

219	AGCCTCAGCAGCCTCCACGTC	644	SLSSLHV	0.629137
220	ACCCTCAGCGGCGCCCTCACC	645	TLSGALT	0.628275
221	CCGAATACGGTGAGGAATAAT	646	PNTVRNN	0.627943
222	AATAATAATGTGAAGATGACT	647	NNNVKMT	0.627302
223	TCTGTTGCTAAGCCTTTTATG	648	SVAKPFM	0.627075
224	ACGCAGACGACTCGGCTTTCG	649	TQTTRLS	0.625657
225	AATAATGCGACTCGGGGTGGG	650	NNATRGG	0.622765
226	ACCAACACCACCGCCAGAATC	651	TNTTARI	0.621665
227	GAGAATAGTATTCGGACTATT	652	ENSIRTI	0.619021
228	ATTAGGGAGACTTCTGGGAAG	653	IRETSGK	0.618732
229	AGCATCTACTACCACACCGAA	654	SIYYHTE	0.618441
230	GTCCTCGACAACAGCGGCCAA	655	VLDNSGQ	0.618183
231	AGCCACAACATGACCATCAGA	656	SHNMTIR	0.614114
232	ACCATCCCCAGCGCCGGCAAA	657	TIPSAGK	0.612816
233	CCTAGGCATACTTTGAGTCAG	658	PRHTLSQ	0.60799
234	TCGCTTAATGTGCAGGATGTG	659	SLNVQDV	0.607203
235	TATCAGTCTCTGGCTAATCCG	660	YQSLANP	0.607005
236	ATTCTGAATATGTCTACGGAT	661	ILNMSTD	0.606834
237	GTCCTCCACCTCGGCCACAGC	662	VLHLGHS	0.605932
238	GGTGTTACTCAGACTCCGCGT	663	GVTQTPR	0.6059
239	ACCAACGACACCAGAAGAATC	664	TNDTRRI	0.604587
240	CAAACCGACCACACCAGCAGA	665	QTDHTSR	0.604031
241	AAGAATGAGATTAAGAATGTG	666	KNEIKNV	0.603838
242	TGGACTGGTAATGAGAGGCTT	667	WTGNERL	0.603412
243	GGTAAGAGTGATGCTATGCGG	668	GKSDAMR	0.603322
244	GGGAATGCGACTCGTACTTAT	669	GNATRTY	0.602016
245	GCCAGCAACCTCGGCCTCCCC	670	ASNLGLP	0.600647
246	AGCAGCCTCAGCGGCAGCCCC	671	SSLSGSP	0.599424
247	GCCGCCGTCAACCAAGGCGTC	672	AAVNQGV	0.599283
248	GACCAAAACCAACCCAGAGAA	673	DQNQPRE	0.59872
249	CTCACCCAAGACAAACAAGCC	674	LTQDKQA	0.59843
250	TTCGGCAGCAACGAACACAAC	675	FGSNEHN	0.59773
251	CTGAATCAGCCGAATGTGCGG	676	LNQPNVR	0.59703
252	ATGAATACTACGCGTAATCTG	677	MNTTRNL	0.596819
253	ACTAATTCTACTAGGACGAGT	678	TNSTRTS	0.596817
254	TTTGAGCTTTCGCATGTGCCT	679	FELSHVP	0.595373

[0084]

255	GAAGGCCTCGGCAACGCCGCC	680	EGLGNAA	0.59339
256	CTCACCGTCACCCTCAACCAC	681	LTVTLNH	0.593104
257	TTTGGGAATGCGATTCAGTCT	682	FGNAIQS	0.593063
258	CCGGGTGGGGGTTTGACTCCG	683	PGGGLTP	0.591748
259	CCCAACATGACCAGAAGCCTC	684	PNMTRSL	0.591633
260	AGTCAGCTGCATAGGTTGCAG	685	SQLHRLQ	0.588997
261	AATGATCCTGTGCTGACTGTG	686	NDPVLTV	0.587622
262	GAAAACAGCGTCAGAACCACC	687	ENSVRTT	0.586872
263	GATCGTGTGACTAATCCGAAG	688	DRVTNPK	0.585898
264	CTCAACACCGGCCAAATGAGA	689	LNTGQMR	0.584482
265	ATTAGTCCTTCTCAGGTGAAG	690	ISPSQVK	0.583565
266	TACAGCGCCGACAAAACCACC	691	YSADKTT	0.583168
267	ATTGATAGTGCGGGGATGGCG	692	IDSAGMA	0.582726
268	AGCAACAACATCAAACTCAAC	693	SNNIKLN	0.582501
269	CTTGAGACGCAGCCTAGGACT	694	LETQPRT	0.582054
270	AATTTGCATAGTAATGTGCTG	695	NLHSNVL	0.581653
271	ATGGTCAAAGACACCCAACTC	696	MVKDTQL	0.581409
272	CTCATGCACCTCACCAACCCC	697	LMHLTNP	0.579725
273	GTCGCCAGCCCCGACAAAAGA	698	VASPDKR	0.579259
274	GTCGTCGCCGTCCTCACCAGC	699	VVAVLTS	0.578391
275	AACATCATGGTCAACGTCCCC	700	NIMVNVP	0.578008
276	CCGTATAGTGGGCAGCGGACT	701	PYSGQRT	0.577882
277	CCTCTGCTTAAGACGAATACT	702	PLLKTNT	0.575523
278	GGGAATACTACGGTGCGTGGG	703	GNTTVRG	0.574402
279	ACCAACAAAGTCAGAGACGAC	704	TNKVRDD	0.573889
280	CCCAGCACCGCCCTCCTCGTC	705	PSTALLV	0.573034
281	ATCCAAAGCATCACCCTCAAA	706	IQSITLK	0.572783
282	CCCCTCCACGCCAACATGAGC	707	PLHANMS	0.570881
283	ACCGCCCACGCCGAAGCCAGA	708	TAHAEAR	0.570572
284	ACGAATACGGATTCGTATCGT	709	TNTDSYR	0.569365
285	ACCCACGTCAGCCTCGACAGA	710	THVSLDR	0.569228
286	TTTAGTACGAAGGATCATGTT	711	FSTKDHV	0.568654
287	GACAACACCCAAACCGCCCCC	712	DNTQTAP	0.568553
288	AGCAACAGAATCATCAGCGGC	713	SNRIISG	0.568551
289	ACTAATTCTGTTAGGAATAAT	714	TNSVRNN	0.568237
290	AGCAACGAAGTCAGAAACATG	715	SNEVRNM	0.567847

[0085]

291	GAACTCTACAAACCCAGCAGA	716	ELYKPSR	0.567258
292	TGGATTACGGGGGGTGCGAGT	717	WITGGAS	0.567159
293	AACAACAGCGTCAGACCCACC	718	NNSVRPT	0.566945
294	CACACCGCCGTCCTCAGAACC	719	HTAVLRT	0.565911
295	AATACTTTGTCTCTTGCTCCT	720	NTLSLAP	0.564955
296	CCCAACGCCAGCGTCAACAGC	721	PNASVNS	0.564885
297	GTTACTGGTGGGAATACTTAT	722	VTGGNTY	0.564099
298	GTCAACGAAAACCTCATCGAA	723	VNENLIE	0.563902
299	GTTTTGACGACTCATTCGAAT	724	VLTTHSN	0.563552
300	CACACCCAACTCCCCCTCACC	725	HTQLPLT	0.562802
301	CGGCAGTCTCTTGAGGCGTTG	726	RQSLEAL	0.562715
302	CCCGACGTCACCGAAGGCAGA	727	PDVTEGR	0.560929
303	CCGACTAATATTATGCTTGAT	728	PTNIMLD	0.560313
304	CCCAACATGAGCGCCATGATC	729	PNMSAMI	0.559451
305	ATTATGAATGGTCAGGCTCTG	730	IMNGQAL	0.558677
306	AATAATAATTCGACGCGTTTT	731	NNNSTRF	0.558656
307	GCCAACGTCACCAGAAGCACC	732	ANVTRST	0.558653
308	CAGAATCTTGGTCTTAATGTG	733	QNLGLNV	0.558202
309	CAAGCCCAAATGAGCAGCGCC	734	QAQMSSA	0.557238
310	CTCACCATGGCCACCAACGTC	735	LTMATNV	0.556779
311	GATCGTGATTCTGTGCAGAAT	736	DRDSVQN	0.55654
312	GTCAACCCCACCAACAACCTC	737	VNPTNNL	0.555076
313	CCGTCTTTTACGACTATGAGT	738	PSFTTMS	0.554811
314	AGGGAGACGCCTATTCCTAAG	739	RETPIPK	0.553803
315	AGCCTCAACTTCACCACCGCC	740	SLNFTTA	0.553055
316	GGTATGAGTGGGGTTGCTCAG	741	GMSGVAQ	0.552736
317	AAGGTTGATGCGGCTCAGAGT	742	KVDAAQS	0.552569
318	CATATTACGACTAATGTGTCT	743	HITTNVS	0.552479
319	GAGCGGGAGTCGGCTCGTCTT	744	ERESARL	0.551876
320	GATAATAGGACTCAGAGGACG	745	DNRTQRT	0.551636
321	TCTGCGCCTAATGTGACTATT	746	SAPNVTI	0.551278
322	GAAAACGGCACCAGAAACACC	747	ENGTRNT	0.55012
323	GGCACCGCCGTCTTCACCGCC	748	GTAVFTA	0.549912
324	GCCAACAACATGAGCCAAACC	749	ANNMSQT	0.549519
325	GGTAATCATACTTATAATCTG	750	GNHTYNL	0.549264
326	CTGAGTCCTTCGAATTCTAAT	751	LSPSNSN	0.549019

[0086]

327	ATGGGCGCCGACCACAGAACC	752	MGADHRT	0.548749
328	AGTAATTCGACGCGTGGTTCT	753	SNSTRGS	0.548705
329	AATACTTCTGGTGTGCCTAAG	754	NTSGVPK	0.548579
330	ATCAACACCGCCGTCGTCAGC	755	INTAVVS	0.54846
331	ATGGGGGTTCAGGCTTATGTG	756	MGVQAYV	0.54845
332	GGGAATTTTGTTAAGCCGAAT	757	GNFVKPN	0.547942
333	GTGAATTCGGTGAGGATGATT	758	VNSVRMI	0.547171
334	CACGACAGCGCCAACAGCAGA	759	HDSANSR	0.54671
335	CTCGGCGTCAGAGACGACAGC	760	LGVRDDS	0.545708
336	AGCAACGCCGTCAGAGCCAAC	761	SNAVRAN	0.545674
337	CCCGTCCTCGCCGCCACCATG	762	PVLAATM	0.545458
338	AATAAGCCTGTGTCTGGTAAT	763	NKPVSGN	0.544076
339	GTCGGCCTCGCCAGCCACACC	764	VGLASHT	0.541637
340	GGCAGCAACACCAACATGAAA	765	GSNTNMK	0.540634
341	GTTGCTACTACTGTGCATAAT	766	VATTVHN	0.540191
342	AACACCCTCGACAGCAGAGTC	767	NTLDSRV	0.539923
343	AGGGAGGCTAATTTGCAGGCG	768	REANLQA	0.539717
344	GTCGACGCCCTCAGCCACATG	769	VDALSHM	0.539694
345	CTTCGTCTTGCTGGTCTTGCT	770	LRLAGLA	0.539525
346	ATTACGGTGACTAATTATTCG	771	ITVTNYS	0.539447
347	TGGGACAGCGGCAGCGGCGAA	772	WDSGSGE	0.539198
348	TTCGCCAGCGAAACCGTCGCC	773	FASETVA	0.537906
349	CAGAATGTTACGGGGACGAGG	774	QNVTGTR	0.537867
350	CTTAATGGGTTGAATGTGTCT	775	LNGLNVS	0.537505
351	AATATGCTTAAGCAGAGTGAG	776	NMLKQSE	0.537354
352	TTTAATGAGGTTCCGAAGGCG	777	FNEVPKA	0.537144
353	CTCGGCGACATCACCGGCTTC	778	LGDITGF	0.537047
354	ATTTCGGCTTCTCATTCTCGT	779	ISASHSR	0.536983
355	AGTCAGACGCAGATTGCTCTT	780	SQTQIAL	0.53684
356	AATATGGCTACTCAGATGAAG	781	NMATQMK	0.536747
357	GTCAACCACAACATCAGACTC	782	VNHNIRL	0.53652
358	AACGCCCTCCAAGTCCCCGTC	783	NALQVPV	0.536474
359	AATTCGACGGGTATTGATACG	784	NSTGIDT	0.53526
360	GTTGTTGCTGGGCATCTTAAT	785	VVAGHLN	0.534827
361	CGGAATGATGCGATTCTGAAT	786	RNDAILN	0.53456
362	AATCGGGTTGATTCGCGGGCT	787	NRVDSRA	0.53408

[0087]

363	TCGACGCATTCTACTTATGTG	788	STHSTYV	0.533753
364	AGTGGGCATGGGACTCTGCGG	789	SGHGTLR	0.532267
365	CCCAACAGCACCACCCTCAGC	790	PNSTTLS	0.531723
366	GACACCAAACCCACCAACACC	791	DTKPTNT	0.531589
367	AACAGAGACACCATCAACAAC	792	NRDTINN	0.531212
368	CCCAGAACCCTCAGCGACGGC	793	PRTLSDG	0.530962
369	ACCAAAGACGTCACCACCAGC	794	TKDVTTS	0.53023
370	CTGGGTAATCCTACGCCTTCT	795	LGNPTPS	0.529624
371	TATCAGGCGATGTATAGGGAT	796	YQAMYRD	0.528592
372	AGCGGCGTCCAAGAATTCGAC	797	SGVQEFD	0.528493
373	TCTAATCATCTGTCGACGGTT	798	SNHLSTV	0.528046
374	CACGACGAAAGAGCCAACATG	799	HDERANM	0.526932
375	ACGAATAGTACTCGGTCGCCT	800	TNSTRSP	0.526707
376	CCGACGGATAAGTCTTATCCG	801	PTDKSYP	0.525687
377	ATGACCGAACAAAGAACCGCC	802	MTEQRTA	0.524729
378	ACCAACGCCACCCACAGCAAA	803	TNATHSK	0.523113
379	AATCGGGGTACTTTTAGTGCG	804	NRGTFSA	0.522986
380	AACACCACCAAATTCAACACC	805	NTTKFNT	0.522899
381	GGGATTCCGCCTTTGACTAAG	806	GIPPLTK	0.522659
382	ACCGCCAACAGCACCCAAAGA	807	TANSTQR	0.522626
383	ACTCAGGGTCCGGGTCCGAAG	808	TQGPGPK	0.522239
384	ATGAATACTACGCGGAATTAT	809	MNTTRNY	0.522193
385	CTCAGAGAAGGCACCTTCATG	810	LREGTFM	0.521554
386	AACATCAGCAGCACCGACAGA	811	NISSTDR	0.521154
387	TCGGTTAGTCGGCCGTTTCAG	812	SVSRPFQ	0.520365
388	CCTATGTCTGCTAATGGGAAG	813	PMSANGK	0.518792
389	GAAGTCAGAGGCAACACCTTC	814	EVRGNTF	0.518514
390	TCGCAGAAGGGTCTGTCTGTG	815	SQKGLSV	0.518477
391	ATTGCTGAGAATCTGAGTGCT	816	IAENLSA	0.517935
392	TTCAGCAACATGAACCTCAAA	817	FSNMNLK	0.517734
393	CCTCGTGAGCGGACTTATACT	818	PRERTYT	0.516835
394	TGGTCGCATAATCCGGATTCT	819	WSHNPDS	0.516248
395	GGTCTTCAGACTCTGATTACG	820	GLQTLIT	0.516123
396	AGCAACAGAACCAAAGACATC	821	SNRTKDI	0.515515
397	GTGACTGAGACGATTCTTAAG	822	VTETILK	0.515459
398	TATGTTACGCGTAGTGGTCTG	823	YVTRSGL	0.515319

[0088]

399	ATGAACGCCAACATCCTCGTC	824	MNANILV	0.514679
400	ACTACGAATCGGGTGGGTACG	825	TTNRVGT	0.51427
401	GTCCTCAAAAGCCACCTCCAA	826	VLKSHLQ	0.51406
402	AGCGACGGCCTCAGAACCCAA	827	SDGLRTQ	0.514048
403	CTCAACAGCGTCAAACCCAAC	828	LNSVKPN	0.513525
404	AGCCAAGCCATCGCCCCCAAA	829	SQAIAPK	0.51343
405	TCTAATAATGTTCGTGCTCCG	830	SNNVRAP	0.513257
406	ATCAGCCACCTCAGCGAAAGC	831	ISHLSES	0.511503
407	CTCCTCCCCGGCATGAGATTC	832	LLPGMRF	0.5114
408	CTTCTTGCGTCGGCTACGAAG	833	LLASATK	0.510718
409	AACCACAACGGCATGGTCAGC	834	NHNGMVS	0.510709
410	CACAGCGGCGAACTCAACAAC	835	HSGELNN	0.510488
411	CTTTCTGCGCCTAAGGATACT	836	LSAPKDT	0.509967
412	ATTGGGACTCATGTGGGGACG	837	IGTHVGT	0.509748
413	GCCGTCGCCCTCGCCAGCGCC	838	AVALASA	0.509614
414	ATTACTCTTCAGTCTAATGCT	839	ITLQSNA	0.509556
415	GTCGACCACAGCCTCACCAGC	840	VDHSLTS	0.509193
416	GGCAACGAAGCCACCAGCCTC	841	GNEATSL	0.508729
417	CCCGTCAGCAGCACCACCCTC	842	PVSSTTL	0.507682
418	CCCTACCAAACCAGCAGCGCC	843	PYQTSSA	0.507351
419	ACCAGCGTCGTCAGCGCCTTC	844	TSVVSAF	0.507058
420	AACGGCGTCCCCGACAACAAC	845	NGVPDNN	0.50693
421	AGCACCCAAACCATCGGCTTC	846	STQTIGF	0.505905
422	ATTCGGAGTTCTGATCTTGCG	847	IRSSDLA	0.505273
423	AACACCCAAAGCGCCAAATAC	848	NTQSAKY	0.504002
424	AGTCTTGAGTCGTCTAGGCAG	849	SLESSRQ	0.503575
425	CTCAACCTCGCCAGCGGCAGA	850	LNLASGR	0.503463
426	ATGCAGGAGCGTCGGGAGTAT	851	MQERREY	0.503055
427	TGGCTCCTCAAAGACGGCTAC	852	WLLKDGY	0.502893
428	GGCAGATACCAAACCACCAGC	853	GRYQTTS	0.502776
429	AATACGACGAAGTTTCCGTTT	854	NTTKFPF	0.502408
430	ATGAGCAACGGCATCAGCAGA	855	MSNGISR	0.501897
431	CCGATTCGGGATCCGGAGAAG	856	PIRDPEK	0.501479
432	AGTACGCTGAGTCCGCATGTT	857	STLSPHV	0.501315
433	TTCATGCCCATCAGCAGCGCC	858	FMPISSA	0.50124
434	AGAAGCGACACCCAAAGCAGC	859	RSDTQSS	0.500462

[0089]

[0090] 표 3: CNS를 표적화할 수 있는 11-mer 표적화 펩티드

SEQ ID NO	11-mer DNA 서열	SEQ ID NO	11-mer 아미노산 서열	평균 풍부화 점수 (log 10 스케일)
860	GCCCAAACCACCCTCAAACCCTTCAGCAACCCC	864	AQTTLKPFSNP	1.101507461
861	GACGGCACCACCCTCAAACCCTTCAGCAACCCC	865	DGTTLKPFSNP	0.172425316
862	GACGGCACCGCCCTCAAACCCTTCCTCGCCCAA	866	DGTALKPFLAQ	0.647416071
863	GATGGGACGACTCTTAAGCCGTTTCTGGCACAG	867	DGTTLKPFLAQ	PHP.eB 서열에 기반하여 예측된 서열

[0091]

[0092] *간을 표적화하는 AAV 캡시드 단백질*

[0093] 간에 대한 증가된 특이성을 부여하는 모체 AAV 캡시드 단백질에서 상기 기재된 아미노산 위치에 적어도 1개의

아미노산의 치환 또는 삽입을 갖는 AAV 캡시드 단백질이 본원에 개시된다. 일부 경우에, 삽입은 **표 4** 및/또는 **도 35**에 제공된 서열 중 어느 하나에 제공된 적어도 1개의 아미노산을 포함한다. 일부 경우에, 삽입은 **표 4** 및/또는 **도 35**에 제공된 서열 중 어느 하나에 제공된 적어도 2개의 아미노산을 포함한다. 일부 경우에, 삽입은 **표 4** 및/또는 **도 35**에 제공된 서열 중 어느 하나에 제공된 적어도 3개의 아미노산을 포함한다. 일부 경우에, 삽입은 **표 4** 및/또는 **도 35**에 제공된 서열 중 어느 하나에 제공된 적어도 4개의 아미노산을 포함한다. 일부 경우에, 삽입은 **표 4** 및/또는 **도 35**에 제공된 서열 중 어느 하나에 제공된 적어도 5개의 아미노산을 포함한다. 일부 경우에, 삽입은 **표 4** 및/또는 **도 35**에 제공된 적어도 6개의 아미노산을 포함한다. 일부 경우에, 삽입은 **표 4** 및/또는 **도 35**에 제공된 적어도 7개의 아미노산을 포함한다. 일부 경우에, 아미노산은 인접한다. 일부 경우에, 아미노산은 인접하지 않는다. 일부 경우에, 삽입은 모체 AAV 캡시드 단백질에서 아미노산 위치 588_589에 있다. 일부 경우에, 모체 캡시드 단백질은 서열식별번호: 1에 제공된 AAV9 캡시드 단백질이다.

[0094] **표 4. 간을 표적화하는 7-mer 표적화 펩티드의 목록**

SEQ ID NO	7 mer 아미노산에 대한 DNA 서열	SEQ ID NO	7 mer 아미노산	간-평균-풍부화 (log10)
868	GCCGAATACAACACCGGCGTC	950	AEYNTGV	0.585999
869	GCTAATGCGATGGGTGATCAT	951	ANAMGDH	0.611245
870	GAAAGCATCCAACAACTCAGC	952	ESIQQLS	0.525712
871	TTTAAGGTTAGTATTCAGCAG	953	FKVSIQQ	0.591275
872	TTTCTTCTTACTTCGGATCCG	954	FLLTSDP	0.515975
873	TTTCAGCAGGATACTTATCTG	955	FQQDTYL	0.548808
874	TTTTCTGGTAGTGCTAGGGTT	956	FSGSARV	0.509852
875	TTCAGCGTCACCAGACAAGCC	957	FSVTRQA	0.718621
876	GGGGCTGCTGGTAAGAGTTTG	958	GAAGKSL	0.571307
877	GGTCATATTTCGGCGCTTGCG	959	GHISALA	0.552655
878	GGGCTGAAGGTGTCTGGGTCT	960	GLKVSGS	0.777335
879	GGTCTTCAGTCGCCGAGGTCT	961	GLQSPRS	0.572095
880	GGGAGGACGGTGCAGGATAGG	962	GRTVQDR	0.528631
881	GGCACCAAAACCCACAGCCTC	963	GTKTHSL	0.518459
882	GGCACCACCAGAAGCCCCACC	964	GTTRSPT	0.560705
883	CACCCCAGCCTCAGACAAAGC	965	HPSLRQS	0.508478
884	CATTCTGCGAAGACTATTGCG	966	HSAKTIA	0.579949
885	CACAGCGGCCCCACCAGCAGC	967	HSGPTSS	0.505295
886	ATCAACAAAGACAACAACCAA	968	INKDNNQ	0.531458
887	ATCAACACCGCCAGCTACAAA	969	INTASYK	0.542125
888	AAAGCCATCAGCACCGCCAAC	970	KAISTAN	0.616958
889	AAAGCCAACAGCCAAATCACC	971	KANSQIT	0.519425
890	AAAGCCTACAGCGTCCAAGTC	972	KAYSVQV	1.15776
891	AAACTCAGCACCCTCCACCAA	973	KLSTLHQ	0.568791
892	AAGCGGGCGCCTGCTGATTCT	974	KRAPADS	0.611303
893	AAAACCAACAACACCGTCCTC	975	KTNNTVL	0.504377
894	AAAACCCAACTCGGCCAAATG	976	KTQLGQM	0.519843
895	CTTGGTTCTGCGCTTACGAGG	977	LGSALTR	0.563314
896	CTCATCAGCACCACCCACAGA	978	LISTTHR	0.502083
897	CTTAAGGTTGCGTCTGGTTTG	979	LKVASGL	0.540598
898	CTTCTTGCGACTGGGCTTAAG	980	LLATGLK	0.545453
899	CTTCCGGGTGGTGCGAGGTTG	981	LPGGARL	0.564086
900	CTTAGGGGTTCTGCTCAGGTG	982	LRGSAQV	0.648123
901	TTGTCTGCTCAGCTTCCGCGG	983	LSAQLPR	0.503052
902	CTTTCTACTGCGTTGACTGTG	984	LSTALTV	0.591029
903	CTCACCAGAGTCGGCACCGTC	985	LTRVGTV	0.520831
904	ATGGCCAACACCAGAAGCGCC	986	MANTRSA	0.525721
905	ATGATCAGAGGCACCAGCAGC	987	MIRGTSS	0.512891
906	ATGCTCAGCGGCCAAGCCAGA	988	MLSGQAR	0.668364
907	ATGAGAGGCCAAGGCGTCCAC	989	MRGQGVH	0.567657
908	AACAACAACCAAAAAGTCTAC	990	NNNQKVY	0.610002

[0095]

909	AACAACAGCGGCCACATCAGC	991	NNSGHIS	0.518228
910	AACACCCTCATCAACGTCAGC	992	NTLINVS	0.607212
911	AATACTTCTGGTGTGCCTAAG	993	NTSGVPK	0.684638
912	AATGTGCCGACTTCGCCGCGG	994	NVPTSPR	0.520245
913	CCCGCCAGAATCCCCGGCAGC	995	PARIPGS	0.50309
914	CCCCTCAGAAACATCAGCGCC	996	PLRNISA	0.50497
915	CCGTTGAGTGGGGGTGTTCGT	997	PLSGGVR	0.598554
916	CCCAACAGAGCCGCCAACAAC	998	PNRAANN	0.508143
917	CCGCGTCATGCGACTCAGTCG	999	PRHATQS	0.711312
918	CCGCGGCCGGTGTCGAATGGG	1000	PRPVSNG	0.7305
919	CCTTCTGGTTCTGCGCGGAGT	1001	PSGSARS	0.82811
920	CCCAGCCACGCCAGAGCCAGC	1002	PSHARAS	0.520336
921	CCCGTCGGCACCAGAACCAGC	1003	PVGTRTS	0.560759
922	AGAGACACCGTCAGCAGATAC	1004	RDTVSRY	0.535765
923	AGAATCAGCACCCTCGGCCTC	1005	RISTLGL	0.595844
924	AGGCTTGATAGGACTGGTTTG	1006	RLDRTGL	0.588542
925	AGACTCACCAACAGCAACCAA	1007	RLTNSNQ	0.516161
926	CGTCAGCATCAGCTTCCTATG	1008	RQHQLPM	0.505918
927	AGAACCGCCAACGCCCTCGGC	1009	RTANALG	0.802247
928	CGGACGGATGTGCGGACGAAT	1010	RTDVRTN	0.682169
929	CGGACTACGGCTAATTCGCTT	1011	RTTANSL	0.509233
930	AGCGGCGGCACCAGAGAAGGC	1012	SGGTREG	0.501512
931	AGCATCAGAGCCCCCGTCAGC	1013	SIRAPVS	0.572426
932	TCGATTTCTCCTCCTCGTACG	1014	SISPPRT	0.550578
933	TCGAAGGTTACGCCTCCTCTG	1015	SKVTPPL	0.687491
934	AGCAGCAGACTCAGCGTCGGC	1016	SSRLSVG	0.637971
935	AGCACCAGAAACGTCGTCGGC	1017	STRNVVG	0.532567
936	TCGGTTCCTCCGAATAGGAAT	1018	SVPPNRN	0.508166
937	ACGGCTGCGCATGTTAGTTAT	1019	TAAHVSY	0.520336
938	ACCAGAAGCGAAGTCATGAAA	1020	TRSEVMK	0.683884
939	GTGGCGGGTCTGACTGTTCAG	1021	VAGLTVQ	0.581695
940	GTTGGTTCTAGTAATACGTAT	1022	VGSSNTY	0.502229
941	GTTAAGACTGATCGGGTTCTG	1023	VKTDRVL	0.51183
942	GTCAACAGCCACGAAAGAGCC	1024	VNSHERA	0.573043
943	GTCCAAGTCGCCATGAGAGCC	1025	VQVAMRA	0.520831
944	GTCAGCATCAGCGTCATGGGC	1026	VSISVMG	0.510987
945	GTGACGGGGGTTCGGATTGGG	1027	VTGVRIG	0.75699
946	TGGTCTGATCCTAGTGATCTG	1028	WSDPSDL	0.59828
947	TACCTCACCAGCGGCGGCTAC	1029	YLTSGGY	0.538789
948	TACCCCCACATGACCCACGAC	1030	YPHMTHD	0.655794
949	TATGTTAATAGTGCTCCGAAG	1031	YVNSAPK	0.551681

[0096]

[0097] 본원에 개시된 AAV 캡시드 및 AAV 캡시드 단백질은 일부 실시양태에서 단리된다. 일부 경우에, 본원에 개시된 AAV 캡시드 및 AAV 캡시드 단백질은 단리되고 정제된다. 또한, 단리되고 정제되거나, 그렇지 않은 본원에 개시된 AAV 캡시드 및 AAV 캡시드 단백질은 일부 경우에 제약상 허용되는 담체를 추가로 포함하는 제약 제조로 제제화될 수 있다.

[0098] **B. 이종 핵산**

[0099] 본원에 개시된 질환 또는 병태, 또는 질환 또는 병태의 증상의 치료 또는 예방에 유용한 치료 핵산이 본원에 개시된다. 일부 실시양태에서, 치료 핵산은 치료 유전자 발현 산물을 코딩한다. 유전자 발현 산물의 비-제한적 예는 질환 또는 장애, 또는 질환 또는 장애의 증상의 치료, 예방, 및/또는 개선에 사용하기 위한 단백질, 폴리펩티드, 펩티드, 효소, 항체, 항원 결합 단편, 핵산 (RNA, DNA, 안티센스 올리고뉴클레오티드, siRNA 등), 및 유전자 편집 성분을 포함한다. 일부 경우에, 치료 핵산은 rAAV, 예컨대 본원에 개시된 것들에 의해 대상체의 유기체, 세포, 조직 또는 기관에 정치된다.

[0100] 각각 바이러스 벡터 (예를 들어, 단일 가닥 DNA 분자 (ssDNA))를 포함하는 rAAV가 본원에 개시된다. 일부 경우에, 바이러스 벡터는 각각 트랜스진을 플랭킹하는 약 145개 염기인 2개의 역위 말단 반복부 (ITR) 서열을 포함한다. 일부 실시양태에서, 트랜스진은 치료 핵산, 및 일부 경우에, 오픈 리딩 프레임 (ORF)에서 치료 핵산과 시스로 프로모터를 포함한다. 프로모터는 표적 세포의 핵에서 치료 핵산의 전사를 개시할 수 있다. ITR 서열은 임의의 AAV 혈청형으로부터의 것일 수 있다. AAV 혈청형의 비-제한적 예는 AV1, AAV2, AAV3, AAV4, AAV5, AAV6, AAV7, AAV8, AAV9, AAV10, AAV11, 및 AAV12를 포함한다. 일부 경우에, ITR은 AAV2로부터의 것이다. 일부 경우에, ITR은 AAV9로부터의 것이다.

[0101] 임의의 수의 뉴클레오티드를 포함할 수 있는 트랜스진이 본원에 개시된다. 일부 경우에, 트랜스진은 약 100개

미만의 뉴클레오티드를 포함할 수 있다. 일부 경우에, 트랜스진은 적어도 약 100개의 뉴클레오티드를 포함할 수 있다. 일부 경우에, 트랜스진은 적어도 약 200개의 뉴클레오티드를 포함할 수 있다. 일부 경우에, 트랜스진은 적어도 약 300개의 뉴클레오티드를 포함할 수 있다. 일부 경우에, 트랜스진은 적어도 약 400개의 뉴클레오티드를 포함할 수 있다. 일부 경우에, 트랜스진은 적어도 약 500개의 뉴클레오티드를 포함할 수 있다. 일부 경우에, 트랜스진은 적어도 약 1000개의 뉴클레오티드를 포함할 수 있다. 일부 경우에, 트랜스진은 적어도 약 5000개의 뉴클레오티드를 포함할 수 있다. 일부 경우에, 트랜스진은 적어도 약 10,000개의 뉴클레오티드를 포함할 수 있다. 일부 경우에, 트랜스진은 적어도 약 20,000개의 뉴클레오티드를 포함할 수 있다. 일부 경우에, 트랜스진은 적어도 약 30,000개의 뉴클레오티드를 포함할 수 있다. 일부 경우에, 트랜스진은 적어도 약 40,000개의 뉴클레오티드를 포함할 수 있다. 일부 경우에, 트랜스진은 적어도 약 50,000개의 뉴클레오티드를 포함할 수 있다. 일부 경우에, 트랜스진은 약 500개 내지 약 5000개의 뉴클레오티드를 포함할 수 있다. 일부 경우에, 트랜스진은 약 5000개 내지 약 10,000개의 뉴클레오티드를 포함할 수 있다. 본원에 개시된 임의의 경우에, 트랜스진은 DNA, RNA, 또는 DNA 및 RNA의 하이브리드를 포함할 수 있다. 일부 경우에, 트랜스진은 단일 가닥일 수 있다. 일부 경우에, 트랜스진은 이중 가닥일 수 있다.

[0102] 표적 유전자 또는 그의 유전자 발현 산물의 발현 또는 활성을 조정하는데 유용한 트랜스진이 본원에 개시된다. 일부 경우에, 트랜스진은 본원에 기재된 rAAV 입자의 rAAV 캡시드 단백질에 의해 캡시드화된다. 일부 경우에, rAAV 입자는 대상체에서 본원에 개시된 질환 또는 병태를 치료하기 위해 대상체에게 전달된다. 일부 경우에, 전달은 전신적 (예를 들어, 정맥내, 비내)이다.

[0103] 본원에 개시된 트랜스진은 건강한 또는 정상 개체의 그것과 유사한 수준에서 내인성 유전자를 발현시키는데 유용하다. 이는 유전자 발현 산물의 저발현, 또는 발현의 결여와 관련된 질환 또는 병태의 치료에 특히 유용하다. 일부 실시양태에서, 본원에 개시된 트랜스진은 내인성 유전자의 발현 수준이 건강한 또는 정상 개체의 발현 수준 초과이도록, 내인성 유전자를 과발현시키는데 유용하다. 추가적으로, 트랜스진은 외인성 유전자 (예를 들어, 활성제, 예컨대 항체, 펩티드, 핵산, 또는 유전자 편집 성분)를 발현시키는데 사용될 수 있다. 일부 실시양태에서, 치료 유전자 발현 산물은 세포에서 1종 이상의 내인성 생물학적 과정의 활성을 변경시키거나, 증진시키거나, 증가시키거나, 유도할 수 있다. 일부 실시양태에서, 본원에 개시된 트랜스진은 내인성 유전자, 예를 들어, 우성 음성 유전자의 발현을 감소시키는데 유용하다. 일부 실시양태에서, 치료 유전자 발현 산물은 세포에서 1종 이상의 내인성 생물학적 과정의 활성을 변경시키거나, 억제하거나, 감소시키거나, 방지하거나, 제거하거나, 손상시킬 수 있다. 일부 측면에서, 유전자 발현의 증가는 적어도 약 20%, 30%, 40%, 50%, 60%, 70%, 80%, 85%, 90%, 95% 및 100% 증가를 지칭한다. 한 측면에서, 표적화된 유전자의 단백질 산물은 적어도 약 20%, 30%, 40%, 50%, 60%, 70%, 80%, 85%, 90%, 95% 및 100% 증가될 수 있다. 일부 측면에서, 유전자 발현의 감소는 적어도 약 20%, 30%, 40%, 50%, 60%, 70%, 80%, 85%, 90%, 95% 및 100% 증가를 지칭한다. 한 측면에서, 표적화된 유전자의 단백질 산물은 적어도 약 20%, 30%, 40%, 50%, 60%, 70%, 80%, 85%, 90%, 95% 및 100% 감소될 수 있다.

[0104] 내인성 서열 (내인성 또는 트랜스진의 일부)이 트랜스진으로 발현되는 경우, 내인성 서열은 전장 서열 (야생형 또는 돌연변이체) 또는 부분적 서열일 수 있다. 내인성 서열은 기능적일 수 있다. 이들 전장 또는 부분적 서열의 기능의 비-제한적 예는 트랜스진 (예를 들어, 치료 유전자)에 의해 발현되는 폴리펩티드의 혈청 반감기를 증가시키는 것 및/또는 운반체로서 작용하는 것을 포함한다.

[0105] 트랜스진은 내인성 유전자의 전부, 일부가 발현되거나, 전혀 발현되지 않도록 내인성 유전자 내로 삽입될 수 있다. 예를 들어, 본원에 기재된 바와 같은 트랜스진은 내인성 서열의 일부 (트랜스진에 대해 N-말단 및/또는 C-말단)가 발현되거나, 전혀 발현되지 않도록, 예를 들어 트랜스진과의 융합물로서 내인성 로커스 내로 삽입될 수 있다. 다른 경우에, 트랜스진 (예를 들어, 내인성 유전자의 추가의 코딩 서열을 갖는 또는 갖지 않는)은 임의의 내인성 로커스, 예를 들어 피난처 로커스 내로 통합된다. 예를 들어, 프라탁신 (FXN) 트랜스진은 내인성 FXN 유전자 내로 삽입될 수 있다. 트랜스진은 임의의 유전자, 예를 들어, 본원에 기재된 바와 같은 유전자 내로 삽입될 수 있다.

[0106] 본 개시내용의 적어도 하나의 이점은 사실상 임의의 치료 핵산이 임의의 치료 유전자 발현 산물을 발현시키는데 사용될 수 있다는 것이다. 일부 경우에, 치료 유전자 발현 산물은 치료 단백질 또는 펩티드 (예를 들어, 항체, 항원-결합 단편, 펩티드, 또는 단백질)이다. 한 실시양태에서 치료 핵산에 의해 코딩되는 단백질은 50 내지 5000개 아미노산의 길이이다. 일부 실시양태에서 코딩되는 단백질은 50 내지 2000개 아미노산의 길이이다. 일부 실시양태에서 코딩되는 단백질은 50 내지 1000개 아미노산의 길이이다. 일부 실시양태에서 코딩되는 단백질은 50 내지 1500개 아미노산의 길이이다. 일부 실시양태에서 코딩되는 단백질은 50 내지 800개 아미노산의 길

이이다. 일부 실시양태에서 코딩되는 단백질은 50 내지 600개 아미노산의 길이이다. 일부 실시양태에서 코딩되는 단백질은 50 내지 400개 아미노산의 길이이다. 일부 실시양태에서 코딩되는 단백질은 50 내지 200개 아미노산의 길이이다. 일부 실시양태에서 코딩되는 단백질은 50 내지 100개 아미노산의 길이이다. 일부 실시양태에서 코딩되는 펩티드는 4 내지 50개 아미노산의 길이이다. 일부 실시양태에서, 코딩되는 단백질은 테트라펩티드, 펜타펩티드, 헥사펩티드, 헵타펩티드, 옥타펩티드, 노나펩티드, 또는 데카펩티드이다. 일부 실시양태에서, 코딩되는 단백질은 2 내지 30개 아미노산, 예컨대 예를 들어 5 내지 30, 10 내지 30, 2 내지 25, 5 내지 25, 10 내지 25, 또는 10 내지 20개 아미노산의 펩티드를 포함한다. 일부 실시양태에서, 코딩되는 단백질은 적어도 11, 12, 13, 14, 15, 17, 20, 25 또는 30개 아미노산의 펩티드, 또는 50개 이하의 아미노산, 예를 들어, 35, 30, 25, 20, 17, 15, 14, 13, 12, 11 또는 10개 이하의 아미노산인 펩티드를 포함한다.

[0107] 치료 단백질 또는 펩티드의 비-제한적 예는 아드레날린성 효능제, 항-아폽토시스 인자, 아폽토시스 억제제, 시토카인 수용체, 시토카인, 세포독소, 적혈구생성제, 글루탐산 데카르복실라제, 당단백질, 성장 인자, 성장 인자 수용체, 호르몬, 호르몬 수용체, 인터페론, 인터류킨, 인터류킨 수용체, 키나제, 키나제 억제제, 신경 성장 인자, 네트린, 신경활성 펩티드, 신경활성 펩티드 수용체, 신경원성 인자, 신경원성 인자 수용체, 뉴로필린, 신경영양 인자, 뉴로트로핀, 뉴로트로핀 수용체, N-메틸-D-아스파르테이트 길항제, 플렉신, 프로테아제, 프로테아제 억제제, 단백질 데카르복실라제, 단백질 키나제, 단백질 키나제 억제제, 단백질용해성 단백질, 단백질용해성 단백질 억제제, 세마포린, 세마포린 수용체, 세로토닌 수송 단백질, 세로토닌 흡수 억제제, 세로토닌 수용체, 세르핀, 세르핀 수용체, 및 종양 서프레서를 포함한다. 특정 실시양태에서, 치료 단백질 또는 펩티드는 뇌-유래 신경영양 인자 (BDNF), 섬모 신경영양 인자 (CNTF), 대식세포 콜로니-자극 인자 (CSF), 표피 성장 인자 (EGF), 섬유모세포 성장 인자 (FGF), 고나도트로핀, 인터페론-감마 (IFN), 인슐린-유사 성장 인자 1 (IFG-1), 신경 성장 인자 (NGF), 혈소판-유래 성장 인자 (PDGF), 색소 상피-유래 인자 (PEDF), 전환 성장 인자 (TGF), 전환 성장 인자-베타 (TGF-B), 종양 괴사 인자 (TNF), 혈관 내피 성장 인자 (VEGF), 프로락틴, 소마토트로핀, 아폽토시스 단백질의 X-연관 억제제 1 (XIAP1), 인터류킨 1 (IL-1), IL-2, IL-3, IL-4, IL-5, IL-6, IL-7, IL-8, IL-9, IL-10, IL-10, 바이러스 IL-10, IL-11, IL-12, IL-13, IL-14, IL-15, IL-16, IL-17, 및 IL-18로 이루어진 군으로부터 선택된다.

[0108] 치료 유전자 발현 산물은 유전자 편집 성분을 포함할 수 있다. 유전자 편집 성분의 비-제한적 예는 CRISPR/Cas에 필요한 것들, 인공 부위-특이적 RNA 엔도뉴클레아제 (ASRE), 아연 핑거 엔도뉴클레아제 (ZFN), 및 전사 인자 유사 이펙터 뉴클레아제 (TALEN)를 포함한다. 비-제한적 예에서, 헌팅톤병을 갖는 대상체가 확인된다. 이어서 대상체는 헌팅틴 (HTT) 유전자의 전사를 억제하도록 조작된 ZFN을 코딩하는 바이러스 벡터를 캡시드화하는 rAAV의 제1 양이 전신적으로 투여된다. 일부 경우에, 투여의 경로는 정맥내이다. rAAV는 오프-표적 기관, 예컨대 간을 재표적화하면서, 신경계에의 ZFN의 적절한 표적화를 허용하도록, **표 2 내지 3**, 또는 **도 33** 중 어느 하나에 제공된 아미노산 서열을 포함하는 변형된 AAV 캡시드 단백질을 포함할 것이다. 필요에 따라, 대상체는 ZFN의 치료 유효량이 대상체의 신경계에서 발현될 때까지, rAAV의 제2 또는 제3 용량이 투여된다. 또 다른 비-제한적 예에서, 낭성 섬유증을 갖는 대상체가 확인된다. 이어서 대상체는 낭성 섬유증 막횡단 전도도 조절제 (CFTR) 유전자의 전사를 억제하도록 조작된 ZFN을 코딩하는 바이러스 벡터를 캡시드화하는 rAAV의 제1 양이 전신적으로 투여된다. 일부 경우에, 투여의 경로는 비내 (예를 들어, 비내 분무)이다. rAAV는 폐에의 ZFN의 적절한 표적화를 허용하도록, **도 33** 또는 **표 2 내지 3**에 제공된 아미노산 서열을 포함하는 변형된 AAV 캡시드 단백질을 포함할 것이다. 필요에 따라, 대상체는 ZFN의 치료 유효량이 대상체의 폐에서 발현될 때까지, rAAV의 제2 또는 제3 용량이 투여된다.

[0109] 치료 핵산은 비-단백질 코딩 유전자, 예를 들어, 안티센스 RNA, RNAi, shRNA 및 마이크로 RNA (miRNA), miRNA 스폰지 또는 미끼를 코딩하는 서열을 포함할 수 있으며, 조건적 유전자 결실, 조건적 (리콤비나제-의존성) 발현을 위한 리콤비나제 전달은 본원에 기재된 유전자 편집 성분에 필요한 것들을 포함한다. 비-단백질 코딩 유전자는 또한 tRNA, rRNA, tmRNA, piRNA, 이중 가닥 RNA, snRNA, snoRNA, 및/또는 긴 비-코딩 RNA (IncRNA)를 코딩할 수 있다. 일부 경우에, 비-단백질 코딩 유전자는 표적 유전자 또는 유전자 발현 산물의 발현 또는 활성을 조정할 수 있다. 예를 들어, 본원에 기재된 RNA는 표적 세포, 예를 들어, 중추 신경계 (CNS) 또는 말초 기관 (예를 들어, 폐)에서의 세포에서 유전자 발현을 억제하는데 사용될 수 있다. 일부 경우에, 유전자 발현의 억제는 적어도 약 20%, 30%, 40%, 50%, 60%, 70%, 80%, 85%, 90%, 95% 및 100% 억제를 지칭한다. 일부 경우에, 표적화된 유전자의 단백질 산물은 적어도 약 20%, 30%, 40%, 50%, 60%, 70%, 80%, 85%, 90%, 95% 및 100% 억제될 수 있다. 유전자는 야생형 유전자 또는 적어도 1개의 돌연변이를 갖는 유전자일 수 있다. 표적화된 단백질은 야생형 단백질 또는 적어도 1개의 돌연변이를 갖는 단백질일 수 있다.

[0110] 치료 핵산은 뇌의 질환 또는 장애에 연루되는 유전자로부터 발현되는 유전자 또는 유전자 발현 산물의 발현 또는 활성을 조정할 수 있다. 예를 들어, 치료 핵산은 일부 경우에 본원에 기재된 유전자 또는 유전자의 변형된 버전이다. 또 다른 예에서, 치료 핵산은 이펙터 유전자 발현 산물, 예컨대 그 안의 유전자를 표적화하는데 특이적인 유전자 편집 성분을 포함한다. 유전자의 비-제한된 예는 사르코글리칸 알파 (SGCA), 글루탐산 데카르복실라제 65 (GAD65), 글루탐산 데카르복실라제 67 (GAD67), CLN2 유전자, 신경 성장 인자 (NGF), 아교 세포 유래 신경영양 인자(GDNF), 뉴투린, 텔로미어성 운동 뉴런의 생존 1 (SMN1), β-글루코세레브로시다제 (GCase), 프라탁신 (FXN), 헌팅틴 (HTN), 메틸-CpG 결합 단백질 2 (MECP2), 퍼옥시좀 생물발생 인자 (PEX), 프로그라눌린 (GRN), 안티튜불린 작용제, 구리-아연 슈퍼옥시드 디스뮤타제 (SOD1), 글루코실세라미다제 베타 (GBA), NPC 세포내 콜레스테롤 수송제 1 (NPC1), 및 NPS3을 포함한다. 일부 실시양태에서, 퍼옥시좀 생물발생 인자 (PEX)는 PEX1, PEX2, PEX3, PEX4, PEX5, PEX6, PEX7, PEX10, PEX11β, PEX12, PEX13, PEX14, PEX16, PEX19, 및 PEX26으로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 경우에, 유전자 또는 유전자 발현 산물은 억제된다. 일부 경우에, 유전자 또는 유전자 발현 산물은 증진된다.

[0111] 치료 핵산은 특정 기관 (예를 들어, 폐, 심장, 간, 근육, 눈)의 질환 또는 장애에 연루되는 유전자로부터 발현되는 유전자 또는 유전자 발현 산물의 발현 또는 활성을 조정한다. 유전자의 비-제한된 예는 낭성 섬유증 막횡단 전도도 조절제 (CFTR), 인자 X (FIX), RPE65, 레티노이드 이소메로히드롤라제 (RPE65), 사르코글리칸 알파 (SGCA), 및 사르코/세포질 세망 Ca2+-ATPase (SERCA2a)를 포함한다. 일부 실시양태에서, 치료 유전자 발현 산물은 인간, 뮤린, 조류, 돼지, 소, 양, 고양이, 개, 말, 에핀(epine), 염소, 이리 또는 영장류 기원의 것이다. 일부 경우에, 유전자 또는 유전자 발현 산물은 억제된다. 일부 경우에, 유전자 또는 유전자 발현 산물은 증진된다.

[0112] **C. AAV 벡터**

[0113] 유전 정보를 포함하는 아데노-연관 바이러스 (AAV) 벡터가 본원에 개시된다. 본원에 기재된 AAV 벡터는 rAAV의 어셈블리 및 이종 핵산의 바이러스 패키징에 유용하다. 또한, AAV 벡터는 이종 핵산을 포함하는 트랜스진을 코딩할 수 있다. 일부 경우에, AAV 벡터는 AV1, AAV2, AAV3, AAV4, AAV5, AAV6, AAV7, AAV8, AAV9, AAV10, AAV11, 및 AAV12로 이루어진 군으로부터 선택되는 AAV 혈청형으로부터의 것이다. 일부 경우에, AAV 벡터는 AAV-PHP.B, AAV-PHP.eB, 및 AAV-PHP.S로 이루어진 군으로부터 선택되는 변형된 AAV 혈청형으로부터의 것이다.

[0114] AAV 벡터는 트랜스진을 포함할 수 있으며, 이는 일부 경우에 이종 유전자 발현 산물 (예를 들어, 치료 유전자 발현 산물, 재조합 캡시드 단백질 등)을 코딩한다. 트랜스진은 트랜스진을 플랭킹하는 2개의 역위 말단 반복부 (ITR)와 시스이다. 트랜스진은 치료 유전자 발현 산물을 코딩하는 치료 핵산을 포함할 수 있다. rAAV의 제한된 패키징 용량 (~2.5kB)으로 인해, 일부 경우에, 보다 긴 트랜스진은 2개의 AAV 벡터 사이에 분할될 수 있으며, 첫번째는 3' 스플라이스 공여자를 갖고, 두번째는 5' 스플라이스 수용자를 갖는다. 세포의 공동-감염시, 함께 스플라이싱되어 전장 트랜스진을 발현하는 콘카테머가 형성된다.

[0115] 트랜스진은 일반적으로 그의 발현이 통합 부위에서 내인성 프로모터, 즉, 트랜스진이 삽입되는 내인성 유전자의 발현을 유도하는 프로모터에 의해 유도되도록 삽입된다. 일부 경우에, 트랜스진은 프로모터 및/또는 인핸서, 예를 들어 구성적 프로모터 또는 유도성 또는 조직/세포 특이적 프로모터를 포함한다. 비-제한적 예로서, 프로모터는 CMV 프로모터, CMV-β-액틴-인트론-β-글로빈 하이브리드 프로모터 (CAG), CBA 프로모터, FRDA 또는 FXN 프로모터, UBC 프로모터, GUSB 프로모터, NSE 프로모터, 시냅신 프로모터, MeCP2 프로모터, GFAP 프로모터, H1 프로모터, U6 프로모터, NFL 프로모터, NFH 프로모터, SCN8A 프로모터, 또는 PGK 프로모터일 수 있다. 비-제한적 예로서, 프로모터는 인간 신장 인자 1α-서브유닛 (EF1α), 극초기 시토메갈로바이러스 (CMV), 닭 β-액틴 (CBA) 및 그의 유도체 CAG, β 글루쿠로니다제 (GUSB), 및 유비퀴틴 C (UBC)를 포함하나 이에 제한되지는 않는 조직-특이적 발현 요소일 수 있다. 트랜스진은 뉴런에 대한 조직-특이적 발현 요소, 예컨대, 뉴런-특이적 에놀라제 (NSE), 혈소판-유래 성장 인자 (PDGF), 혈소판-유래 성장 인자 B-쇄 (PDGF-β), 시냅신 (Syn), 메틸-CpG 결합 단백질 2 (MeCP2), Ca2+/칼모듈린-의존성 단백질 키나제 II (CaMKII), 대사성 글루타메이트 수용체 2 (mGluR2), NFL, NFH, np32, PPE, Enk 및 EAAT2 프로모터 (그러나 이에 제한되지는 않음)를 포함할 수 있다. 트랜스진은 성상세포에 대한 조직-특이적 발현 요소, 예컨대, 아교 원섬유성 산성 단백질 (GFAP) 및 EAAT2 프로모터 (그러나 이에 제한되지는 않음)를 포함할 수 있다. 트랜스진은 핍지교세포에 대한 조직-특이적 발현 요소, 예컨대, 미엘린 염기성 단백질 (MBP) 프로모터 (그러나 이에 제한되지는 않음)를 포함할 수 있다.

[0116] 일부 실시양태에서, 프로모터는 1 kb 미만이다. 프로모터는 200, 210, 220, 230, 240, 250, 260, 270, 280, 290, 300, 310, 320, 330, 340, 350, 360, 370, 380, 390, 400, 410, 420, 430, 440, 450, 460, 470, 480,

490, 500, 510, 520, 530, 540, 550, 560, 570, 580, 590, 600, 610, 620, 630, 640, 650, 660, 670, 680, 690, 700, 710, 720, 730, 740, 750, 760, 770, 780, 790, 800 또는 800 초과의 길이를 가질 수 있다. 프로모터는 200 내지 300, 200 내지 400, 200 내지 500, 200 내지 600, 200 내지 700, 200 내지 800, 300 내지 400, 300 내지 500, 300 내지 600, 300 내지 700, 300 내지 800, 400 내지 500, 400 내지 600, 400 내지 700, 400 내지 800, 500 내지 600, 500 내지 700, 500 내지 800, 600 내지 700, 600 내지 800 또는 700 내지 800의 길이를 가질 수 있다. 프로모터는 표적화된 조직, 예컨대 중추 신경계 및 말초 기관 (예를 들어, 폐) (그러나 이에 제한되지는 않음)에서 소정 기간 동안 치료 유전자 발현 산물의 발현을 제공할 수 있다. 치료 유전자 발현 산물의 발현은 1시간, 2시간, 3시간, 4시간, 5시간, 6시간, 7시간, 8시간, 9시간, 10시간, 11시간, 12시간, 13시간, 14시간, 15시간, 16시간, 17시간, 18시간, 19시간, 20시간, 21시간, 22시간, 23시간, 1일, 2일, 3일, 4일, 5일, 6일, 1주, 8일, 9일, 10일, 11일, 12일, 13일, 2주, 15일, 16일, 17일, 18일, 19일, 20일, 3주, 22일, 23일, 24일, 25일, 26일, 27일, 28일, 29일, 30일, 31일, 1개월, 2개월, 3개월, 4개월, 5개월, 6개월, 7개월, 8개월, 9개월, 10개월, 11개월, 1년, 13개월, 14개월, 15개월, 16개월, 17개월, 18개월, 19개월, 20개월, 21개월, 22개월, 23개월, 2년, 3년, 4년, 5년, 6년, 7년, 8년, 9년, 10년, 11년, 12년, 13년, 14년, 15년, 16년, 17년, 18년, 19년, 20년, 21년, 22년, 23년, 24년, 25년, 26년, 27년, 28년, 29년, 30년, 31년, 32년, 33년, 34년, 35년, 36년, 37년, 38년, 39년, 40년, 41년, 42년, 43년, 44년, 45년, 46년, 47년, 48년, 49년, 50년, 55년, 60년, 65년, 또는 65년 초과의 기간 동안일 수 있다. 페이로드의 발현은 1 내지 5시간, 1 내지 12시간, 1 내지 2일, 1 내지 5일, 1 내지 2주, 1 내지 3주, 1 내지 4주, 1 내지 2개월, 1 내지 4개월, 1 내지 6개월, 2 내지 6개월, 3 내지 6개월, 3 내지 9개월, 4 내지 8개월, 6 내지 12개월, 1 내지 2년, 1 내지 5년, 2 내지 5년, 3 내지 6년, 3 내지 8년, 4 내지 8년 또는 5 내지 10년 또는 10 내지 15년, 또는 15 내지 20년, 또는 20 내지 25년, 또는 25 내지 30년, 또는 30 내지 35년, 또는 35 내지 40년, 또는 40 내지 45년, 또는 45 내지 50년, 또는 50 내지 55년, 또는 55 내지 60년, 또는 60 내지 65년 동안일 수 있다.

[0117] AAV 벡터는 헬퍼 바이러스의 게놈을 포함할 수 있다. 헬퍼 바이러스 단백질은 재조합 AAV (rAAV)의 어셈블리, 및 rAAV 내로의 이종 핵산을 함유하는 트랜스진의 패키징에 필요하다. 헬퍼 바이러스 유전자는 세포에서 발현되는 경우 AAV 복제를 보조하는 아데노바이러스 유전자 E4, E2a 및 VA이다. 일부 실시양태에서, AAV 벡터는 E2를 포함한다. 일부 실시양태에서, AAV 벡터는 E4를 포함한다. 일부 실시양태에서, AAV 벡터는 VA를 포함한다. 일부 경우에, AAV 벡터는 헬퍼 바이러스 단백질 중 하나, 또는 임의의 조합을 포함한다.

[0118] AAV 벡터는 본원에 기재된 재조합 AAV (rAAV) 캡시드 단백질을 코딩하는 핵산을 포함하는 바이러스 게놈을 포함할 수 있다. 바이러스 게놈은 Rep 단백질을 코딩하는 복제 (Rep) 유전자, 및 제1 오픈 리딩 프레임 (ORF1)에서 AAP 단백질 또는 제2 오픈 리딩 프레임 (ORF2)에서 Cap 단백질을 코딩하는 캡시드 (Cap) 유전자를 포함할 수 있다. Rep 단백질은 Rep78, Rep68, Rep52, 및 Rep40으로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 경우에, 본원에 기재된 변형된 AAV 캡시드 단백질을 코딩하는 Cap 유전자는 변형된다. 야생형 Cap 유전자는 3가지 단백질, VP1, VP2, 및 VP3을 코딩한다. 일부 경우에, VP1은 변형된다. 일부 경우에, VP2는 변형된다. 일부 경우에, VP3은 변형된다. 일부 경우에, 모든 3가지 VP1 내지 VP3은 변형된다. AAV 벡터는 야생형 Rep78, Rep68, Rep52, Rep40 및 AAP 단백질을 코딩하는 핵산을 포함할 수 있다.

[0119] 본 개시내용의 AAV 캡시드 단백질의 변형된 부분을 코딩하는 DNA 서열인 서열식별번호: 10 내지 434, 860 내지 863, 868 내지 949, 1068 내지 5661, 14841 내지 14880, 및 14961 내지 15053 중 어느 하나를 포함하는 AAV 벡터가 본원에 개시된다. 일부 경우에, AAV 벡터는 7-mer 변형된 AAV 캡시드 단백질 부분을 코딩하는 서열식별번호: 10 내지 434 및 868 내지 949 중 어느 하나에 제공된 핵산 서열을 포함한다. 본 개시내용의 AAV 벡터는 표 5에 제공된 서열식별번호: 6 내지 9 중 어느 하나를 포함하는 VP1 Cap 유전자를 포함할 수 있다. AAV 벡터는 서열식별번호: 6 내지 9 중 어느 하나의 70%, 75%, 80%, 85%, 90%, 91%, 92%, 93%, 94%, 95%, 96%, 97%, 98%, 99%, 또는 100%를 포함할 수 있다.

[0120] 일부 경우에, 표 5에 제공된 서열식별번호: 6에 제공된 AAV9 VP1 유전자는 서열식별번호: 10 내지 434, 860 내지 863, 868 내지 949, 1068 내지 5661, 14841 내지 14880, 및 14961 내지 15053 중 어느 하나를 포함하도록 변형된다. 일부 경우에, 또한 표 5에 제공된 AAV-PHP.eB VP1 (서열식별번호: 9)은 서열식별번호: 10 내지 434, 860 내지 863, 868 내지 949, 1068 내지 5661, 14841 내지 14880, 및 14961 내지 15053 중 어느 하나를 포함하도록 변형된다. 본원에 기재된 AAV 벡터는 본원에 기재된 방법에 의해 변이체 AAV 캡시드를 생산하는데 사용될 수 있다.

[0121] **표 5. VP1 캡시드 단백질 핵산 서열**

SEQ ID NO:	식별자	서열
6	AAV9 >AY530579 .1 아데노-연관 바이러스 9 단리체 hu.14 캡시드 단백질 VP1 (cap) 유전자, 완전한 cds	ATGGCTGCCGATGGTTATCTTCCAGATTGGCTCGAGGACAA CCTTAGTGAAGGAATTCGCGAGTGGTGGGCTTTGAAACCTG GAGCCCCTCAACCCAAGGCAAATCAACAACATCAAGACAA CGCTCGAGGTCTTGTGCTTCCGGGTTACAAATACCTTGGACC CGGCAACGGACTCGACAAGGGGGAGCCGGTCAACGCAGCA GACGCGGCGGCCCTCGAGCACGACAAGGCCTACGACCAGC AGCTCAAGGCCGGAGACAACCCGTACCTCAAGTACAACCAC GCCGACGCCGAGTTCCAGGAGCGGCTCAAAGAAGATACGTC TTTTGGGGGCAACCTCGGGCGAGCAGTCTTCCAGGCCAAAA AGAGGCTTCTTGAACCTCTTGGTCTGGTTGAGGAAGCGGCT AAGACGGCTCCTGGAAAGAAGAGGCCTGTAGAGCAGTCTCC TCAGGAACCGGACTCCTCCGCGGGTATTGGCAAATCGGGTG CACAGCCCGCTAAAAAGAGACTCAATTTCGGTCAGACTGGC GACACAGAGTCAGTCCCAGACCCTCAACCAATCGGAGAACC TCCCGCAGCCCCCTCAGGTGTGGGATCTCTTACAATGGCTTC AGGTGGTGGCGCACCAGTGGCAGACAATAACGAAGGTGCC GATGGAGTGGGTAGTTCCTCGGGAAATTGGCATTGCGATTC CCAATGGCTGGGGGACAGAGTCATCACCACCAGCACCCGAA CCTGGGCCCTGCCCACCTACAACAATCACCTCTACAAGCAA ATCTCCAACAGCACATCTGGAGGATCTTCAAATGACAACGC CTACTTCGGCTACAGCACCCCCTGGGGGTATTTTGACTTCAA CAGATTCCACTGCCACTTCTCACCACGTGACTGGCAGCGAC TCATCAACAACAACTGGGGATTCCGGCCTAAGCGACTCAAC TTCAAGCTCTTCAACATTCAGGTCAAAGAGGTTACGGACAA CAATGGAGTCAAGACCATCGCCAATAACCTTACCAGCACGG TCCAGGTCTTCACGGACTCAGACTATCAGCTCCCGTACGTGC TCGGGTCGGCTCACGAGGGCTGCCTCCCGCCGTTCCCAGCG GACGTTTTCATGATTCCTCAGTACGGGTATCTGACGCTTAAT GATGGAAGCCAGGCCGTGGGTCGTTCGTCCTTTTACTGCCT GGAATATTTCCCGTCGCAAATGCTAAGAACGGGTAACAACT TCCAGTTCAGCTACGAGTTTGAGAACGTACCTTTCCATAGCA GCTACGCTCACAGCCAAAGCCTGGACCGACTAATGAATCCA CTCATCGACCAATACTTGTACTATCTCTCAAAGACTATTAAC GGTTCTGGACAGAATCAACAAACGCTAAAATTCAGTGTGGC CGGACCCAGCAACATGGCTGTCCAGGGAAGAAACTACATAC CTGGACCCAGCTACCGACAACAACGTGTCTCAACCACTGTG

[0122]

[0123]

		ACTCAAAACAACAACAGCGAATTTGCTTGGCCTGGAGCTTC TTCTTGGGCTCTCAATGGACGTAATAGCTTGATGAATCCTGG ACCTGCTATGGCCAGCCACAAAGAAGGAGAGGACCGTTTCT TTCCTTTGTCTGGATCTTTAATTTTTGGCAAACAAGGAACTG GAAGAGACAACGTGGATGCGGACAAAGTCATGATAACCAA CGAAGAAGAAATTAAAACTACTAACCCGGTAGCAACGGAG TCCTATGGACAAGTGGCCACAAACCACCAGAGTGCCCAAGC ACAGGCGCAGACCGGCTGGGTTCAAAACCAAGGAATACTTC CGGGTATGGTTTGGCAGGACAGAGATGTGTACCTGCAAGGA CCCATTTGGGCCAAAATTCCTCACACGGACGGCAACTTTCA CCCTTCTCCGCTGATGGGAGGGTTTGGAATGAAGCACCCGC CTCCTCAGATCCTCATCAAAAACACACCTGTACCTGCGGAT CCTCCAACGGCCTTCAACAAGGACAAGCTGAACTCTTTCAT CACCCAGTATTCTACTGGCCAAGTCAGCGTGGAGATCGAGT GGGAGCTGCAGAAGGAAAACAGCAAGCGCTGGAACCCGGA GATCCAGTACACTTCCAACTATTACAAGTCTAATAATGTTGA ATTTGCTGTTAATACTGAAGGTGTATATAGTGAACCCCGCCC CATTGGCACCAGATACCTGACTCGTAATCTGTAA
7	AAV- PHP.B	ATGGCTGCCG ATGGTTATCT TCCAGATTGG CTCGAGGACA ACCTTAGTGAAGGAATTCGC GAGTGGTGGG CTTTGAAACC TGGAGCCCCT CAACCCAAGGCAAATCAACA ACATCAAGAC AACGCTCGAG GTCTTGTGCT TCCGGGTTACAAATACCTTG GACCCGGCAA CGGACTCGAC AAGGGGGAGC GGTCAACGC AGCAGACGCG GCGGCCCTCG AGCACGACAA GCCTACGAC CAGCAGCTCAAGGCCGGAGA CAACCCGTAC CTCAAGTACA ACCACGCCGA CGCCGAGTTCCAGGAGCGGC TCAAAGAAGA TACGTCTTTT GGGGGCAACC TCGGGCGAGCAGTCTTCCAG GCCAAAAAGA GGCTTCTTGA ACCTCTTGGT CTGGTTGAGG AAGCGGCTAA GACGGCTCCT GGAAAGAAGA GGCCTGTAGA GCAGTCTCCTCAGGAACCGG ACTCCTCCGC GGGTATTGGC AAATCGGGTG CACAGCCCGCTAAAAAGAGA CTCAATTTCG GTCAGACTGG CGACACAGAG TCAGTCCCAGACCCTCAACC AATCGGAGAA CCTCCCGCAG CCCCCTCAGG TGTGGGATCT CTTACAATGG CTTCAGGTGG TGGCGCACCA GTGGCAGACA ATAACGAAGGTGCCGATGGA GTGGGTAGTT CCTCGGGAAA TTGGCATTGC GATTCCCAATGGCTGGGGGA CAGAGTCATC ACCACCAGCA CCCGAACCTG GGCCCTGCCCACCTACAACA ATCACCTCTA CAAGCAAATC TCCAACAGCA CATCTGGAGG ATCTTCAAAT GACAACGCCT ACTTCGGCTA CAGCACCCCC TGGGGGTATTTTGACTTCAA CAGATTCCAC TGCCACTTCT CACCACGTGA CTGGCAGCGACTCATCAACA ACAACTGGGG ATTCCGGCCT AAGCGACTCA ACTTCAAGCTCTTCAACATT

		CAGGTCAAAG AGGTTACGGA CAACAATGGA GTCAAGACCA TCGCCAATAA CCTTACCAGC ACGGTCCAGG TCTTCACGGA CTCAGACTATCAGCTCCCGT ACGTGCTCGG GTCGGCTCAC GAGGGCTGCC TCCCGCCGTTCCCAGCGGAC GTTTTCATGA TTCCTCAGTA CGGGTATCTG ACGCTTAATGATGGAAGCCA GGCCGTGGGT CGTTCGTCCT TTTACTGCCT GGAATATTTC CCGTCGCAAA TGCTAAGAAC GGGTAACAAC TTCCAGTTCA GCTACGAGTTTGAGAACGTA CCTTTCCATA GCAGCTACGC TCACAGCCAA AGCCTGGACCGACTAATGAA TCCACTCATC GACCAATACT TGTACTATCT CTCTAGAACT ATTAACGGTT CTGGACAGAA TCAACAAACG CTAAAATTCA GTGTGGCCGG ACCCAGCAAC ATGGCTGTCC AGGGAAGAAA CTACATACCT GGACCCAGCTACCGACAACA ACGTGTCTCA ACCACTGTGA CTCAAAACAA CAACAGCGAATTTGCTTGGC CTGGAGCTTC TTCTTGGGCT CTCAATGGAC GTAATAGCTT GATGAATCCT GGACCTGCTA TGGCCAGCCA CAAAGAAGGA GAGGACCGTTTCTTTCCTTT GTCTGGATCT TTAATTTTTG GCAAACAAGG TACCGGCAGAGACAACGTGG ATGCGGACAA AGTCATGATA ACCAACGAAG AAGAAATTAAAACTACTAAC CCGGTAGCAA CGGAGTCCTA TGGACAAGTG GCCACAAACCACCAGAGTGC CCAAACTTTG GCGGTGCCTT TTAAGGCACA GGCGCAGACCGGTTGGGTTC AAAACCAAGG AATACTTCCG GGTATGGTTT GGCAGGACAGAGATGTGTAC CTGCAAGGAC CCATTTGGGC CAAAATTCCT CACACGGACG GCAACTTTCA CCCTTCTCCG CTGATGGGAG GGTTTGGAAT GAAGCACCCGCCTCCTCAGA TCCTCATCAA AAACACACCT GTACCTGCGG ATCCTCCAACGGCCTTCAAC AAGGACAAGC TGAACTCTTT CATCACCCAG TATTCTACTGGCCAAGTCAG CGTGGAGATC GAGTGGGAGC TGCAGAAGGA AAACAGCAAG CGCTGGAACC CGGAGATCCA GTACACTTCC AACTATTACA AGTCTAATAATGTTGAATTT GCTGTTAATA CTGAAGGTGT ATATAGTGAA CCCCGCCCCATTGGCACCAG ATACCTGACT CGTAATCTGT AA
8	AAV- PHP.S	ATGGCTGCCGATGGTTATCTTCCAGATTGGCTCGAGGACAA CCTTAGTGAAGGAATTCGCGAGTGGTGGGCTTTGAAACCTG GAGCCCCTCAACCCAAGGCAAATCAACAACATCAAGACAA CGCTCGAGGTCTTGTGCTTCCGGGTTACAAATACCTTGGACC CGGCAACGGACTCGACAAGGGGGAGCCGGTCAACGCAGCA GACGCGGCGGCCCTCGAGCACGACAAGGCCTACGACCAGC AGCTCAAGGCCGGAGACAACCCGTACCTCAAGTACAACCAC GCCGACGCCGAGTTCCAGGAGCGGCTCAAAGAAGATACGTC

[0124]

[0125]

		TTTTGGGGGCAACCTCGGGCGAGCAGTCTTCCAGGCCAAAA AGAGGCTTCTTGAACCTCTTGGTCTGGTTGAGGAAGCGGCT AAGACGGCTCCTGGAAAGAAGAGGCCTGTAGAGCAGTCTCC TCAGGAACCGGACTCCTCCGCGGGTATTGGCAAATCGGGTG CACAGCCCGCTAAAAAGAGACTCAATTTCGGTCAGACTGGC GACACAGAGTCAGTCCCAGACCCTCAACCAATCGGAGAACC TCCCGCAGCCCCCTCAGGTGTGGGATCTCTTACAATGGCTTC AGGTGGTGGCGCACCAGTGGCAGACAATAACGAAGGTGCC GATGGAGTGGGTAGTTCCTCGGGAAATTGGCATTGCGATTC CCAATGGCTGGGGGACAGAGTCATCACCACCAGCACCCGAA CCTGGGCCCTGCCCACCTACAACAATCACCTCTACAAGCAA ATCTCCAACAGCACATCTGGAGGATCTTCAAATGACAACGC CTACTTCGGCTACAGCACCCCCTGGGGGTATTTTGACTTCAA CAGATTCCACTGCCACTTCTCACCACGTGACTGGCAGCGAC TCATCAACAACAACTGGGGATTCCGGCCTAAGCGACTCAAC TTCAAGCTCTTCAACATTCAGGTCAAAGAGGTTACGGACAA CAATGGAGTCAAGACCATCGCCAATAACCTTACCAGCACGG TCCAGGTCTTCACGGACTCAGACTATCAGCTCCCGTACGTGC TCGGGTCGGCTCACGAGGGCTGCCTCCCGCCGTTCCCAGCG GACGTTTTCATGATTCCTCAGTACGGGTATCTGACGCTTAAT GATGGAAGCCAGGCCGTGGGTCGTTCGTCCTTTTACTGCCTG GAATATTTCCCGTCGCAAATGCTAAGAACGGGTAACAACTT CCAGTTCAGCTACGAGTTTGAGAACGTACCTTTCCATAGCA GCTACGCTCACAGCCAAAGCCTGGACCGACTAATGAATCCA CTCATCGACCAATACTTGTACTATCTCTCAAAGACTATTAAC GGTTCTGGACAGAATCAACAAACGCTAAAATTCAGTGTGGC CGGACCCAGCAACATGGCTGTCCAGGGAAGAAACTACATAC CTGGACCCAGCTACCGACAACAACGTGTCTCAACCACTGTG ACTCAAAACAACAACAGCGAATTTGCTTGGCCTGGAGCTTC TTCTTGGGCTCTCAATGGACGTAATAGCTTGATGAATCCTGG ACCTGCTATGGCCAGCCACAAAGAAGGAGAGGACCGTTTCT TTCCTTTGTCTGGATCTTTAATTTTTGGCAAACAAGGAACTG GAAGAGACAACGTGGATGCGGACAAAGTCATGATAACCAA CGAAGAAGAAATTAAAACTACTAACCCGGTAGCAACGGAG TCCTATGGACAAGTGGCCACAAACCACCAGAGTGCCCAACA GGCGGTTAGGACGTCTTTGGCACAGGCGCAGACCGGCTGGG TTCAAAACCAAGGAATACTTCCGGGTATGGTTTGGCAGGAC AGAGATGTGTACCTGCAAGGACCCATTTGGGCCAAAATTCC TCACACGGACGGCAACTTTCACCCTTCTCCGCTGATGGGAG GGTTTGGAATGAAGCACCCGCCTCCTCAGATCCTCATCAAA AACACACCTGTACCTGCGGATCCTCCAACGGCCTTCAACAA GGACAAGCTGAACTCTTTCATCACCCAGTATTCTACTGGCCA AGTCAGCGTGGAGATCGAGTGGGAGCTGCAGAAGGAAAAC

		AGCAAGCGCTGGAACCCGGAGATCCAGTACACTTCCAACTA TTACAAGTCTAATAATGTTGAATTTGCTGTTAATACTGAAGG TGTATATAGTGAACCCCGCCCCATTGGCACCAGATACCTGA CTCGTAATCTGTAA
9	AAV-PHP.eB	ATGGCTGCCGATGGTTATCTTCCAGATTGGCTCGAGGACAA CCTTAGTGAAGGAATTCGCGAGTGGTGGGCTTTGAAACCTG GAGCCCCTCAACCCAAGGCAAATCAACAACATCAAGACAA CGCTCGAGGTCTTGTGCTTCCGGGTTACAAATACCTTGGACC CGGCAACGGACTCGACAAGGGGGAGCCGGTCAACGCAGCA GACGCGGCGGCCCTCGAGCACGACAAGGCCTACGACCAGC AGCTCAAGGCCGGAGACAACCCGTACCTCAAGTACAACCAC GCCGACGCCGAGTTCCAGGAGCGGCTCAAAGAAGATACGTC TTTTGGGGGCAACCTCGGGCGAGCAGTCTTCCAGGCCAAAA AGAGGCTTCTTGAACCTCTTGGTCTGGTTGAGGAAGCGGCT AAGACGGCTCCTGGAAAGAAGAGGCCTGTAGAGCAGTCTCC TCAGGAACCGGACTCCTCCGCGGGTATTGGCAAATCGGGTG CACAGCCCGCTAAAAAGAGACTCAATTTCGGTCAGACTGGC GACACAGAGTCAGTCCCAGACCCTCAACCAATCGGAGAACC TCCCGCAGCCCCCTCAGGTGTGGGATCTCTTACAATGGCTTC AGGTGGTGGCGCACCAGTGGCAGACAATAACGAAGGTGCC GATGGAGTGGGTAGTTCCTCGGGAAATTGGCATTGCGATTC CCAATGGCTGGGGGACAGAGTCATCACCACCAGCACCCGAA CCTGGGCCCTGCCCACCTACAACAATCACCTCTACAAGCAA ATCTCCAACAGCACATCTGGAGGATCTTCAAATGACAACGC CTACTTCGGCTACAGCACCCCCTGGGGGTATTTTGACTTCAA CAGATTCCACTGCCACTTCTCACCACGTGACTGGCAGCGAC TCATCAACAACAACTGGGGATTCCGGCCTAAGCGACTCAAC TTCAAGCTCTTCAACATTCAGGTCAAAGAGGTTACGGACAA CAATGGAGTCAAGACCATCGCCAATAACCTTACCAGCACGG TCCAGGTCTTCACGGACTCAGACTATCAGCTCCCGTACGTGC TCGGGTCGGCTCACGAGGGCTGCCTCCCGCCGTTCCCAGCG GACGTTTTCATGATTCCTCAGTACGGGTATCTGACGCTTAAT GATGGAAGCCAGGCCGTGGGTCGTTCGTCCTTTTACTGCCTG GAATATTTCCCGTCGCAAATGCTAAGAACGGGTAACAACTT CCAGTTCAGCTACGAGTTTGAGAACGTACCTTTCCATAGCA GCTACGCTCACAGCCAAAGCCTGGACCGACTAATGAATCCA CTCATCGACCAATACTTGTACTATCTCTCTAGAACTATTAAC GGTTCTGGACAGAATCAACAAACGCTAAAATTCAGTGTGGC CGGACCCAGCAACATGGCTGTCCAGGGAAGAAACTACATAC CTGGACCCAGCTACCGACAACAACGTGTCTCAACCACTGTG ACTCAAAACAACAACAGCGAATTTGCTTGGCCTGGAGCTTC TTCTTGGGCTCTCAATGGACGTAATAGCTTGATGAATCCTGG

[0126]

		ACCTGCTATGGCCAGCCACAAAGAAGGAGAGGACCGTTTCT TTCCTTTGTCTGGATCTTTAATTTTTGGCAAACAAGGTACCG GCAGAGACAACGTGGATGCGGACAAAGTCATGATAACCAA CGAAGAAGAAATTAAAACTACTAACCCGGTAGCAACGGAG TCCTATGGACAAGTGGCCACAAACCACCAGAGTGATGGGAC TTTGGCGGTGCCTTTTAAGGCACAGGCGCAGACCGGTTGGG TTCAAAACCAAGGAATACTTCCGGGTATGGTTTGGCAGGAC AGAGATGTGTACCTGCAAGGACCCATTTGGGCCAAAATTCC TCACACGGACGGCAACTTTCACCCTTCTCCGCTGATGGGAG GGTTTGGAATGAAGCACCCGCCTCCTCAGATCCTCATCAAA AACACACCTGTACCTGCGGATCCTCCAACGGCCTTCAACAA GGACAAGCTGAACTCTTTCATCACCCAGTATTCTACTGGCCA AGTCAGCGTGGAGATCGAGTGGGAGCTGCAGAAGGAAAAC AGCAAGCGCTGGAACCCGGAGATCCAGTACACTTCCAACTA TTACAAGTCTAATAATGTTGAATTTGCTGTTAATACTGAAGG TGTATATAGTGAACCCCGCCCCATTGGCACCAGATACCTGA CTCGTAATCTGTAA

[0127]

[0128] **II. 방법**

[0129] **A. AAV를 생산하는 방법**

[0130] 재조합 AAV (rAAV), 예컨대 본원에 개시된 것들을 확인하는 방법이 본원에 개시된다. 표적 생체내 환경에 특이적인 AAV 퀩티드는 멀티플렉스화 Cre 재조합-기반 AAV 표적화된 진화 (M-CREATE)를 사용하여 확인된다. **도 1**은

M-CREATE를 사용한 작업흐름을 제공한다. M-CREATE는 AAV *Rep* 유전자로부터의 조절 요소에 의해 제어되는 전장 AAV *Cap* 유전자를 Cre-가역적 스위치와 커플링하는 rAAV 캡시드 게놈 (하기 실시예 2에 기재된 바와 같은 rAAV-Cap-인-시스-lox 또는 rAAV-ΔCap-인-시스-lox2)을 사용한다. rAAV-ΔCap-인-시스-lox2 백본은 2개의 Lox 부위 (lox71 및 lox66)에 의해 플랭킹된 양방향성 폴리A를 갖는다. ΔCap 백본은 그것이 캡시드 유전자의 일부를 상실하고 있기 때문에 비기능적이다. 캡시드 내로의 특이적 부위에서의 돌연변이유발을 갖는 라이브러리 단편의 삽입 시, 이는 이어서 완전히 기능적인 벡터가 된다. Cre 리콤비나제를 발현하는 세포에서, Cre-Lox 재조합은 Lox 부위를 Lox72 및 LoxP에 플립핑하는 것에 추가로 폴리A의 역전을 용이하게 한다. (**도 1** 및 **36** 참조). 본원에 개시된 무작위화된 7-mer 및 11-mer은 PCR을 사용하여 생성되며, 이는 이어서 rAAV-ΔCap-인-시스-lox 내로 삽입되어 캡시드 단백질 서열 (예를 들어, AA588_589에서)에 무작위화된 삽입 또는 치환을 갖는 바이러스 라이브러리를 생성한다. (**도 1**). 생체내 선택의 제1 라운드에서, 바이러스 라이브러리는 Cre 리콤비나제르 발현하는 트랜스제닉 동물의 혈류 내로 (예를 들어, 정맥내로) 주사된다. 생체내 환경 (예를 들어, 뇌/간)에서의 주사 후 트랜스제닉 동물로부터 얻어진 조직. 역위 리포터 발현 카세트를 리포터 유전자 발현 산물의 선택적 증폭 발현을 사용하여 검출한다. 조직에서의 rAAV를 단리하고, 삽입 부위 주위의 바이러스 게놈을 시퀀싱하고, AAV9 주형 DNA 단편으로 정렬한다. 회수된 7-mer 및 11-mer을 표적 생체내 환경에서 풍부화하고, 또 다른 rAAV-ΔCap-인-시스-lox2 백본 내로 클로닝하고, 생체내 선택의 또 다른 라운드를 수행한다. 표적 생체내 환경에 풍부화된, 및 오프-표적 생체내 환경에 음성으로 풍부화된 7-mer 및 11-mer을 적합한 방법, 예컨대 차세대 시퀀싱을 사용하여 시퀀싱한다. **도 33 내지 35**는 본원에 제공된 방법을 사용하여 확인된 DNA 서열을 제공한다.

[0131] 방법은 AAV 캡시드 유전자, 및 Cre 리콤비나제에 대한 인식 서열을 포함하는 rAAV 게놈을 제공하는 것을 포함한다. 일부 경우에, rAAV 게놈은 리포터 발현 카세트를 플랭킹하는 Cre 리콤비나제에 대한 2개의 인식 서열을 갖는다. Cre 리콤비나제에 대한 인식 서열 (예를 들어, LoxP)은 리포터 카세트의 역전이 세포에서 Cre 리콤비나제의 존재 하에서 용이하게 되도록 배향된다. 방법은 Cre 리콤비나제를 발현하는 세포의 집단을 rAAV 게놈으로 형질감염시키는 것을 포함한다. Cre 리콤비나제는 역전 (예를 들어, 트랜스제닉 동물의 게놈 내로의 리포터 유전자의 "플립핑")을 유도한다. 일부 경우에, 역전의 비율 (예를 들어, 표적 세포에서의 리포터 유전자의 발현의 수준)은 임의의 적합한 방법, 예컨대 정량적 폴리머라제 연쇄 반응, 또는 면역조직화학을 사용하여 측정될 수 있다. 리포터 유전자의 발현의 수준은 일부 경우에 참조 AAV (예를 들어, AAV9)에 의한 역전의 속도인 참조 값과 비교된다. 본원에 개시된 방법은 참조 AAV의 역전의 비율과 비교하여 역전의 비율의 증가가 표적 생체내 환경에서 검출되는 것을 제공한다. 일부 경우에, 참조 AAV의 역전의 비율과 비교하여 역전의 비율의 감소가 오프-표적 세포에서 검출된다. 본원에 기재된 방법을 사용하여 회수된 rAAV 게놈은 표적 세포에 대한 증가된 특이성, 및 오프-표적 세포에 대한 감소된 특이성을 갖는 AAV 캡시드 입자 (예를 들어, 캡시드 단백질, 캡시드)를 코딩한다.

[0132] 본원에 개시된 rAAV를 생산하는 방법이 본원에 개시된다. 일부 경우에, 표적 세포 (예를 들어, HEK293세포)에서의 AAV 생산에 필요한 모든 요소는 관련 기술분야에 공지된 적합한 방법을 사용하여 표적 세포 내로 일시적으로 형질감염된다. 예를 들어, 본 개시내용의 rAAV는 3개의 플라스미드 벡터, 즉, 트랜스진 (예를 들어, 치료 핵산)을 운반하는 ITR-함유 플라스미드를 갖는 제1 벡터, AAV Rep 및 Cap 유전자를 운반하는 제2 벡터; 및 (3) 아데노바이러스로부터 단리된 헬퍼 유전자를 제공하는 제3 벡터를 공동-형질감염시키는 것에 의한 산물일 수 있다. 본원에 기재된 방법은 아데노바이러스가 없는 고-역가 AAV 벡터를 생성한다. 본원에 개시된 Cap 유전자는 본 개시내용의 변형된 AAV 캡시드 단백질 부분을 코딩하는 DNA 서열인 서열식별번호: 10 내지 434, 860 내지 863, 868 내지 949, 1068 내지 5661, 14841 내지 14880, 및 14961 내지 15053 중 어느 하나를 포함한다. 일부 경우에, 본 개시내용의 rAAV는 그 전문이 본원에 참조로 포함되는 문헌 [Challis, R. C. et al. Systemic AAV vectors for widespread and targeted gene delivery in rodents. Nat. Protoc. 14, 379 (2019)]에 기재된 방법을 사용하여 생성된다. 간략하게, 폴리에틸렌이민 (PEI)을 사용한 HEK293T 세포 (ATCC)의 삼중 형질감염을 수행하고, 바이러스를 세포 용해물 및 배지 둘 다로부터 120시간 후에 수집하고, 아이오딕산올 상에서 정제한다.

[0133] (a) (1) 치료 유전자 발현 산물을 코딩하는 제1 핵산 서열; (2) (i) Rep 단백질을 코딩하는 복제 (*Rep*) 유전자; 및 (ii) 본원에 기재된 변형된 AAV 캡시드 단백질을 코딩하는 변형된 캡시드 (*Cap*) 유전자를 포함하는 바이러스 게놈 성분을 코딩하는 제2 핵산 서열, 및 (3) AAV 헬퍼 바이러스의 게놈을 코딩하는 제3 핵산 서열을 포함하는 핵산을 세포 내로 도입하고; (b) 제1 핵산을 캡시드화하는 재조합 AAV (rAAV) 캡시드를 어셈블리하는 것을 포함하며, 여기서 rAAV 캡시드는, 상응하는 모체 AAV 캡시드 단백질의 향성에 비해, 대상체에서의 표적 생체내 환경에 대해 증가된 특이성 및 오프-표적 생체내 환경에 대해 감소된 특이성을 갖는 향성을 포함하는 것인 방법이 본원에 개시된다. 일부 경우에, 방법은 그것이 변형된 AAV 캡시드 단백질에 의해 캡시드화되도록 치료 유전자

발현 산물을 코딩하는 제1 핵산 서열을 패킹하는 것을 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, rAAV 입자는 단리되고, 농축되고, 적합한 바이러스 정제 방법, 예컨대 본원에 기재된 것들을 사용하여 정제된다.

[0134] 비-제한적 예에서, rAAV는 표준 형질감염 프로토콜 (예를 들어, PEI)을 사용한 전구체 세포 (예를 들어, HEK293T) 세포의 삼중 형질감염에 의해 생성된다. 바이러스 입자는 소정 기간 후 (예를 들어, 형질감염 후 72시간)에 배지로부터 및 보다 나중의 시점 (예를 들어, 형질감염 후 120시간)에서 세포 및 배지로부터 수거된다. 배지에 존재하는 바이러스는 8% 폴리(에틸렌 글리콜) 및 500 mM 염화나트륨으로의 침전에 의해 농축되고, 침전된 바이러스는 수집된 세포로부터 제조된 용해물에 첨가된다. 바이러스는 아이오딕산올 (옵티프렙(Optiprep), 시그마(Sigma)) 단계 구배 (15%, 25%, 40% 및 60%) 상에서 정제된다. 바이러스는 농축되고, PBS에서 제제화된다. 바이러스 역가는 qPCR 및 대조군으로서 선형화된 게놈 플라스미드를 사용하여 DNaseI-저항성 벡터 게놈 카피 (VG)의 수를 측정함으로써 결정된다.

[0135] Rep 단백질은 Rep78, Rep68, Rep52, 및 Rep40으로 이루어진 군으로부터 선택될 수 있다. AAV 헬퍼 바이러스의 게놈은 E2, E4, 및 VA로 이루어진 군으로부터 선택되는 AAV 헬퍼 유전자를 포함한다. 제2 핵산 및 제1 핵산은 트랜스일 수 있다. 제2 핵산 및 제1 핵산은 시스일 수 있다.

[0136] 세포는 인간, 영장류, 뮤린, 고양이, 개, 돼지, 양, 소, 말, 에핀, 염소 및 이리 숙주 세포로 이루어진 군으로부터 선택될 수 있다. 일부 경우에, 세포는 선조 또는 전구체 세포, 예컨대 줄기 세포이다. 일부 경우에, 줄기 세포는 중간엽 세포, 배아 줄기 세포, 유도 다능성 줄기 세포 (iPSC), 섬유모세포 또는 다른 조직 특이적 줄기 세포이다. 세포는 불멸화될 수 있다. 일부 경우에, 불멸화된 세포는 HEK293세포이다. 일부 경우에, 세포는 분화된 세포이다. 제공된 본 개시내용에 기반하여, 이 시스템은 관심의 표적 세포 유형에서 리콤비나제를 발현하는 임의의 트랜스제닉 라인과 함께 사용되어 그 표적 세포 집단을 보다 효율적으로 형질도입하는 AAV 캡시드를 개발할 수 있음이 예상된다.

[0137] **B. 이종 핵산의 rAAV-매개 전달의 방법**

[0138] 이종 핵산 (예를 들어, 본원에 개시된 치료 핵산 또는 트랜스진)을 이를 필요로 하는 대상체에게 전달하는 방법이 본원에 개시된다. 트랜스진은 재조합 AAV (rAAV) 캡시드 단백질 또는 rAAV 입자, 예컨대 본원에 기재된 것들에 의해 캡시드화될 수 있다.

[0139] 방법은 생체외, 예를 들어, 과학 연구 목적 또는 입양 세포 요법을 생성하기 위한 것일 수 있다. 대상체는 인간 1차 세포 또는 성숙한 세포, 또는 세포주일 수 있다. 대상체는 원숭이, 햄스터, 또는 마우스로부터의 세포일 수 있다. 어느 경우에도, 전달은 조성물을 세포 또는 세포주와 접촉시키는 것을 포함할 수 있다.

[0140] 방법은 생체내, 예를 들어, 이를 필요로 하는 대상체에서 질환 또는 병태를 치료하는 것일 수 있다. 일부 경우에, 대상체는 포유동물, 예컨대 인간 또는 비-인간 영장류일 수 있으며, 이 경우 조성물의 전달은 조성물을 대상체에게 투여하는 것을 포함할 수 있다. 일부 실시양태에서, 이종 핵산의 전달은 본원에 기재된 투여의 경로 중 어느 하나를 사용하여 조성물을 대상체에게 투여하는 것을 포함한다.

[0141] 일부 실시양태에서, 표적 생체내 환경에서 이종 핵산의 형질도입을 증가시키는 방법은 본원에 기재된 rAAV 입자, 즉, 표적 생체내 환경 (예를 들어, 조직 또는 세포 유형)에서 증가된 형질도입 효율을 갖도록 조작된 rAAV를 전달하는 것을 포함한다. 일부 경우에, 증가된 형질도입 효율은, 참조 AAV에 비해, 1배, 2배, 3배, 4배, 5배, 6배, 7배, 8배, 9배, 10배, 11배, 12배, 13배, 14배, 15배, 16배, 17배, 18배, 19배, 20배, 21배, 22배, 23배, 24배, 25배, 26배, 27배, 28배, 29배, 30배, 31배, 32배, 33배, 34배, 35배, 36배, 37배, 38배, 39배, 40배, 41배, 42배, 43배, 44배, 45배, 46배, 47배, 48배, 49배, 50배, 75배, 또는 100배 증가, 또는 그 초과를 포함한다. 일부 경우에, 증가된 형질도입 효율은 적어도 30배이다. 일부 경우에, 증가된 형질도입 효율은 적어도 40배이다. 일부 경우에, 증가된 형질도입 효율은 적어도 50배이다. 일부 경우에, 증가된 형질도입 효율은 적어도 60배이다. 일부 경우에, 증가된 형질도입 효율은 적어도 80배이다. 일부 경우에, 증가된 형질도입 효율은 적어도 90배이다. 일부 경우에, 증가된 형질도입 효율은 적어도 100배이다.

[0142] 참조 AAV와 비교하여 표적 생체내 환경 (예를 들어, 조직 또는 세포 유형)에서 증가된 특이성을 갖도록 조작된 본원에 기재된 rAAV 입자를 전달하는 것을 포함하는, 이종 핵산을 표적 생체내 환경에 전달하는 방법이 또한 제공된다. 방법은 일부 경우에 대상체에서의 표적 생체내 환경으로부터 얻어진 조직 샘플에서 rAAV에 의해 캡시드화된 이종 핵산으로부터 발현된 유전자 발현 산물 (예를 들어, RNA 또는 단백질)의 수준을 측정하는 것을 포함하여, rAAV가 참조 AAV보다 표적 생체내 환경에 대한 더 많은 특이성을 갖는지 여부를 검출하고; 측정된 수준을 대조군 수준 (예컨대, 예를 들어, 참조 AAV (예를 들어, AAV9)에 의해 캡시드화된 이종 핵산으로부터 발현된

유전자 발현 산물에 대한)과 비교하는 것을 포함한다. 유전자 발현 산물의 발현을 측정하기 위한 적합한 방법은 루시페라제 리포터 검정 및 정량적 폴리머라제 연쇄 반응 (qPCR)이다.

[0143] 일부 경우에, 참조 AAV는 AAV1, AAV2, AAV3, AAV4, AAV5, AAV6, AAV7, AAV8, AAV9, AAV10, AAV11, AAV12, 또는 그의 변이체로 이루어진 군으로부터 선택되는 혈청형을 갖는다. 예를 들어, 참조 AAV는 AAV-PHP.B, AAV-PHP.eB, 및 AAV-PHP.S로 이루어진 군으로부터 선택되는 혈청형을 가질 수 있다.

[0144] *CNS에의 전달*

[0145] 조성물을 대상체에서 중추 신경계 (CNS)로 이루어진 군으로부터 선택되는 표적 생체내 환경에 전달하는 것을 포함하며, 여기서 조성물은 rAAV 캡시드 단백질을 갖는 rAAV 입자를 포함하고, rAAV 캡시드 단백질은 이종 핵산 (예를 들어, 치료 핵산)을 코딩하는 바이러스 벡터를 캡시드화하는 것인, 이종 핵산을 표적 생체내 환경에 전달하는 방법이 본원에 제공된다. 일부 실시양태에서, 이종 핵산을 캡시드화하는 rAAV 입자는 참조 AAV와 비교하여, 심지어 대상체에게 전신적으로 투여되는 경우에도, 대상체의 CNS 또는 PNS에서 측정 시 증가된 특이성 및 일부 경우에, 형질도입 효율을 갖도록 조작된 rAAV 캡시드 단백질을 포함한다.

[0146] 방법은 참조 AAV (예를 들어, AAV9)와 비교하여, 대상체에서 CNS에서 측정 시 증가된 특이성 및/또는 형질도입 효율을 갖는 rAAV 캡시드 단백질을 포함하는 rAAV 입자를 전달하는 것을 포함한다. 일부 실시양태에서, 전달은 전신적이다. 대안적으로, 전달은 직접적이다 (예를 들어, CNS의 영향을 받은 영역 내로).

[0147] rAAV 캡시드 단백질은 모체 AAV의 아미노산 서열에서, **표 2 내지 3** 중 어느 하나에 제공된 아미노산 서열에 제공된 적어도 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 또는 11개의 아미노산의 치환을 포함할 수 있다. 일부 경우에, X1은 A, E, D, G, R, S 및 T로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 경우에, 삽입은 2개의 아미노산을 추가로 포함하며, 여기서 X2는 A, G, I, L, M, N, Q, R, T, 및 Y로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 경우에, 삽입은 3개의 아미노산을 추가로 포함하며, 여기서 X3은 E, K, L, T, 및 Q로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 경우에, 삽입은 적어도 4개의 아미노산을 추가로 포함하며, 여기서 X1은 A, E, D, G, R, S 및 T로 이루어진 군으로부터 선택되고, X2는 A, G, I, L, M, N, Q, R, T, 및 Y로 이루어진 군으로부터 선택되고, X3은 E, K, L, T, 및 Q로 이루어진 군으로부터 선택되고, X4는 G, I, K, L, M, R, T, 및 V로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 경우에, 삽입은 5개의 아미노산을 추가로 포함하며, 여기서 X5는 A, D, G, P, L, Q, 및 V로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 경우에, 삽입은 적어도 6개의 아미노산을 추가로 포함하며, 여기서 X6은 F, K, L, N, P, Q, S, 및 V로 이루어진 군으로부터 선택된다. 일부 경우에, 삽입은 적어도 7개의 아미노산을 추가로 포함하며, 여기서 X7은 I, K, L, P, S, 및 V로 이루어진 군으로부터 선택된다.

[0148] 이종 핵산을 캡시드화하는 rAAV 입자를 대상체에서의 CNS에 전달하는 것을 포함하며, 여기서 rAAV 입자는 (i) CNS에 대한 이종 핵산의 증가된 특이성 및/또는 형질도입 효율을 포함하며, 여기서 rAAV 입자는 모체 AAV 캡시드 단백질에서의 아미노산 위치 588_589에 아미노산 서열 TALKPFL, TTLKPFL, TLQIPFK, TMQKPFI, 또는 RYQGDSV, 또는 **표 2 내지 3 또는 도 33**에 제공된 임의의 아미노산 서열의 적어도 또는 약 3, 4, 5, 6, 또는 7개의 아미노산의 삽입을 포함하는 rAAV 캡시드 단백질을 갖는 것인 방법이 본원에 개시된다. 일부 실시양태에서, 전달은 전신적이다. 일부 실시양태에서, 전달은 직접적이다 (예를 들어, 생체내 환경 내로 주사됨). 일부 실시양태에서, 모체 AAV 캡시드 단백질은 AAV9 캡시드 단백질이다 (예를 들어, 서열식별번호: 1에 제공됨). 일부 실시양태에서, 전달은 참조 AAV, 예를 들어, AAV9에 의한 이종 핵산의 전달보다 더 특이적이다. 일부 실시양태에서, 전달은 전신적 (예를 들어, 정맥내)이다. 일부 실시양태에서, 대상체는 포유동물이다. 일부 실시양태에서, 대상체는 인간이다.

[0149] *간에의 전달*

[0150] 일부 경우에, 이종 핵산을 전달하는 방법은 조성물을 대상체에서의 표적 생체내 환경에 전달하는 것을 포함하며, 여기서 조성물은 rAAV 캡시드 단백질을 갖는 rAAV 입자를 포함하고, rAAV 캡시드 단백질은 이종 핵산 (예를 들어, 치료 핵산)을 코딩하는 바이러스 벡터를 캡시드화한다. 일부 경우에, 표적 생체내 환경은 간이다. 일부 실시양태에서, 이종 핵산을 캡시드화하는 rAAV 입자는 심지어 대상체에게 전신적으로 투여되는 경우에도, 대상체의 표적 생체내 환경에서 측정 시 증가된 특이성 및 일부 경우에, 형질도입 효율을 갖도록 조작된 rAAV 캡시드 단백질을 포함한다.

[0151] 일부 실시양태에서, 방법은 참조 AAV (예를 들어, AAV9)와 비교하여, 대상체에서의 간에 대한 이종 핵산의 증가된 특이성 및/또는 형질도입 효율을 갖는 rAAV 캡시드 단백질을 포함하는 rAAV 입자를 전달하는 것을 포함한다. 일부 실시양태에서, 간을 표적화하기 위해 최적화된 rAAV는 서열식별번호: 950 내지 1031 및 15054 내지 15146

(**도 35**)에 제공된 아미노산 서열을 포함하는 아미노산 서열을 갖는다.

[0152] 간에의 이종 핵산의 전달에 적합한 rAAV 캡시드 단백질은 모체 AAV 캡시드 단백질에서 적어도 1개의 아미노산의 삽입을 포함할 수 있다. 일부 경우에, 삽입은 **표 4**, 또는 **도 35**에 제공된 아미노산 서열에 제공된 적어도 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 또는 11개의 아미노산을 포함한다.

[0153] 이종 핵산을 캡시드화하는 rAAV 입자를 대상체에서의 간으로 이루어진 군으로부터 선택되는 표적 생체내 환경에 전달하는 것을 포함하며, 여기서 rAAV 입자는 표적 생체내 환경에 대한 이종 핵산의 증가된 특이성 및/또는 형질도입 효율을 포함하며, 여기서 rAAV 입자는 **표 4**, 또는 **도 35**에 제공된 아미노산 서열의 적어도 또는 약 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 또는 11개의 아미노산의 삽입을 포함하는 rAAV 캡시드 단백질을 갖는 것인 방법이 본원에 개시된다. 일부 실시양태에서, 전달은 참조 AAV, 예를 들어, AAV9에 의한 이종 핵산의 전달보다 더 특이적이다. 일부 실시양태에서, 방법은, 참조 AAV에 비해, 오프-표적 생체내 환경, 예컨대 간에서 이종 핵산의 전달을 감소시키거나 제거하는 것을 추가로 포함한다. 일부 실시양태에서, 전달은 참조 AAV의 표적 생체내 환경에서의 형질도입 효율보다 표적 생체내 환경에서의 (예를 들어, 이종 핵산의) 형질도입의 효율의 증가를 특징으로 한다. 일부 실시양태에서, 전달은 전신적 (예를 들어, 정맥내)이다. 일부 실시양태에서, 대상체는 포유동물이다. 일부 경우에, 포유동물은 인간이다.

[0154] **C. 치료 방법**

[0155] 본원에 개시된 1종 이상의 조성물 (예를 들어, rAAV 입자, AAV 벡터, 제약 조성물)의 치료 유효량을 대상체에게 투여하는 것을 포함하는, 대상체에서 질환 또는 병태, 또는 질환 또는 병태의 증상을 치료하는 방법이 본원에 개시된다. 일부 실시양태에서, 조성물은 본원에 기재된 rAAV 캡시드 단백질이다. 일부 실시양태에서, 조성물은 본원에 기재된 단리되고 정제된 rAAV 캡시드 단백질이다. 일부 실시양태에서, rAAV 입자는 트랜스진 (예를 들어, 치료 핵산)을 포함하는 AAV 벡터를 캡시드화한다. 일부 실시양태에서, 조성물은 본원에 개시된 치료제와 접합된 본원에 기재된 rAAV 캡시드 단백질이다. 일부 실시양태에서, 조성물은 rAAV 입자 및 제약상 허용되는 담체를 포함하는 제약 조성물이다. 일부 실시양태에서, 1종 이상의 조성물은 단독으로 대상체에게 투여된다 (예를 들어, 독립형 요법). 일부 실시양태에서, 1종 이상의 조성물은 추가의 작용제와 조합으로 투여된다. 일부 실시양태에서, 조성물은 질환 또는 병태에 대한 제1-라인 요법이다. 일부 실시양태에서, 조성물은 질환 또는 병태에 대한 제2-라인, 제3-라인, 또는 제4-라인 요법이다.

[0156] (a) 대상체를 표적 생체내 환경에 영향을 미치는 질환 또는 병태로 진단하는 단계; 및 (b) 본원에 개시된 조성물 (예를 들어, rAAV 입자, AAV 벡터, 제약 조성물)의 치료 유효량을 대상체에게 투여함으로써 질환 또는 병태를 치료하는 단계로서, 여기서 조성물은 표적 생체내 환경에 대한 증가된 특이성을 갖도록 조작된 것인 단계를 포함하는, 질환 또는 병태, 또는 질환 또는 병태의 증상을 치료하는 방법이 본원에 제공된다.

[0157] (a) 조성물 (예를 들어, rAAV 입자, AAV 벡터, 제약 조성물)을 대상체에게 투여하는 단계; 및 (b) 참조 AAV와 비교하여 증가된 특이성 및/또는 형질도입 효율로 대상체에서 표적 생체내 환경 내로 치료 핵산을 발현시키는 단계를 포함하는, 대상체에서 표적 생체내 환경에 고통을 주는 질환 또는 병태, 또는 질환 또는 병태의 증상을 치료하는 방법이 본원에 개시된다. 일부 경우에, 참조 AAV는 AAV9, 또는 그의 변이체이다.

[0158] 중추 신경계 (CNS)에 영향을 미치는 질환 또는 병태를 치료하는 방법은 대상체에서의 CNS에 rAAV 입자를 투여하는 것을 포함하며, 여기서 rAAV 입자는 아미노산 서열 TALKPFL, TTLKPFL, TLQIPFK, TMQKPFI, RYQGDSV, 또는 TTLKPFS, 또는 모체 AAV 캡시드 단백질에서의 아미노산 위치 588_589에 **표 2 내지 3**, 또는 **도 33**에 제공된 임의의 아미노산 서열의 적어도 또는 약 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 또는 11개의 아미노산의 삽입을 포함하는 rAAV 캡시드 단백질을 포함한다. 일부 경우에, 삽입은 TLAVPFK, KFPVALT, SVSKPFL, FTLTTPK, MNATKNV, NGGTSSS, TRTNPEA, 또는 YTLSQGW가 아니다. 일부 실시양태에서, 모체 AAV 캡시드 단백질은 AAV9 캡시드 단백질 (예를 들어, 서열식별번호: 1에 제공됨)이다. 일부 경우에, 모체 AAV 캡시드 단백질은 서열식별번호: 1과 적어도 95%, 96%, 96.1, 96.2%, 96.3%, 96.4%, 96.5%, 96.6%, 96.7%, 96.8%, 96.9%, 97.0%, 97.1%, 97.2%, 97.3%, 97.4%, 97.5%, 97.6%, 97.7%, 97.8%, 97.9%, 98.0%, 98.1%, 98.2%, 98.3%, 98.4%, 98.5%, 98.6%, 98.7%, 98.7%, 98.8%, 98.9%, 99.0%, 99.1%, 99.2%, 99.3%, 99.4%, 99.5%, 99.6%, 99.7%, 99.8%, 99.9%, 또는 100.0% 동일한 아미노산 서열을 포함한다. 일부 실시양태에서, 전달은 참조 AAV, 예를 들어, AAV9에 의한 이종 핵산의 전달보다 더 특이적이다. 일부 실시양태에서, 전달은 전신적 (예를 들어, 정맥내)이다. 일부 실시양태에서, 대상체는 인간 또는 비-인간 영장류이다.

[0159] 간을 포함하는 표적 생체내 환경에 고통을 주는 질환 또는 병태를 치료하는 방법은 대상체에서의 표적 생체내

환경에 rAAV 입자를 투여하는 것을 포함하며, 여기서 rAAV 입자는 서열식별번호: 950 내지 1031 및 15054 내지 15146 (**도 35**) 중 어느 하나에 제공된 아미노산 서열의 적어도 또는 약 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 또는 11개의 아미노산의 치환을 포함하는 rAAV 캡시드 단백질을 포함한다. 일부 실시양태에서, 방법은 참조 AAV (예를 들어, AAV9)와 비교하여 대상체에서의 간에 대해 증가된 특이성을 갖는 rAAV 캡시드 단백질을 포함하는 rAAV 입자를 전달하는 것을 포함한다. 일부 실시양태에서, 간을 표적화하기 위해 최적화된 rAAV는 모체 AAV 캡시드 단백질에서의 아미노산 위치 588_589에 아미노산 서열 KAYSVQV, PSGSARS, 및 RTANALG를 포함하는 아미노산 서열을 갖는다. 일부 실시양태에서, 모체 AAV 캡시드 단백질은 AAV9 캡시드 단백질 (예를 들어, 서열식별번호: 1에 제공됨)이다. 일부 경우에, 모체 AAV 캡시드 단백질은 서열식별번호: 1과 적어도 95%, 96%, 96.1, 96.2%, 96.3%, 96.4%, 96.5%, 96.6%, 96.7%, 96.8%, 96.9%, 97.0%, 97.1%, 97.2%, 97.3%, 97.4%, 97.5%, 97.6%, 97.7%, 97.8%, 97.9%, 98.0%, 98.1%, 98.2%, 98.3%, 98.4%, 98.5%, 98.6%, 98.7%, 98.7%, 98.8%, 98.9%, 99.0%, 99.1%, 99.2%, 99.3%, 99.4%, 99.5%, 99.6%, 99.7%, 99.8%, 99.9%, 또는 100.0% 동일한 아미노산 서열을 포함한다. 일부 실시양태에서, 전달은 참조 AAV, 예를 들어, AAV9에 의한 이종 핵산의 전달보다 더 특이적이다. 일부 실시양태에서, 전달은 전신적 (예를 들어, 정맥내 또는 비내)이다. 일부 실시양태에서, 대상체는 인간 또는 비-인간 영장류이다.

[0160] 또한, 본원에 개시된 조성물 (예를 들어, rAAV 입자, AAV 벡터, 제약 조성물)을 표적 유전자 발현 산물의 조정을 필요로 하는 대상체에게 투여하는 것을 포함하는, 표적 유전자 발현 산물을 조정하는 방법이 제공된다. 예를 들어, 본원에 제공된 방법은 표적 유전자 발현 산물의 발현 또는 활성을 조정하는 이종 핵산을 포함하는 바이러스 벡터를 캡시드화하는 rAAV 캡시드 단백질을 갖는 rAAV를 대상체에게 투여하는 것을 포함한다. 일부 실시양태에서, 질환 또는 병태는 정상 개체와 비교하여 유전자 또는 그의 유전자 발현 산물의 증가된 또는 증진된 발현 또는 활성을 특징으로 한다. 일부 경우에, 조성물의 치료 유효량을 투여하는 것은 유전자 또는 그의 유전자 발현 산물의 발현 또는 활성을 정상 개체에서 전형적인 수준으로 복원시킨다. 용어 "정상 개체"는 유전자 또는 그의 유전자 발현 산물의 발현 또는 활성의 변이를 특징으로 하는 질환 또는 병태로 고통을 받지 않는 개체를 지칭한다.

[0161] 중추 신경계 (CNS) 질환 또는 장애에 관여하는 유전자의 비-제한적 예는 사르코글리칸 알파 (SGCA), 글루탐산 데카르복실라제 65 (GAD65), 글루탐산 데카르복실라제 67 (GAD67), CLN2 유전자, 신경 성장 인자 (NGF), 아교세포 유래 신경영양 인자 (GDNF), 뉴투린, 텔로미어성 운동 뉴런의 생존 1 (SMN1), β-글루코세레브로시다제 (GCase), 프라탁신 (FXN), 헌팅틴 (HTN), 메틸-CpG 결합 단백질 2 (MECP2), 퍼옥시좀 생물발생 인자 (PEX), 프로그라눌린 (GRN), 안티튜불린 작용제, 구리-아연 슈퍼옥시드 디스뮤타제 (SOD1), 글루코실세라미다제 베타 (GBA), NPC 세포내 콜레스테롤 수송제 1 (NPC1), 및 NPS3을 포함한다. 일부 실시양태에서, 퍼옥시좀 생물발생 인자 (PEX)는 PEX1, PEX2, PEX3, PEX4, PEX5, PEX6, PEX7, PEX10, PEX11β, PEX12, PEX13, PEX14, PEX16, PEX19, 및 PEX26으로 이루어진 군으로부터 선택된다. 특정 기관 (예를 들어, 폐, 심장, 간, 근육, 눈)의 질환 또는 장애에 연루되는 유전자의 비-제한적 예는 낭성 섬유증 막횡단 전도도 조절제 (CFTR), 인자 X (FIX), RPE65, 레티노이드 이소메로히드롤라제 (RPE65), 사르코글리칸 알파 (SGCA), 및 사르코/세포질 세망 Ca2+-ATPase (SERCA2a)를 포함한다. 일부 경우에, 유전자의 발현 또는 유전자 발현 산물의 발현 또는 활성은 대상체에의 조성물의 투여에 의해 억제된다. 일부 경우에, 유전자의 발현 또는 유전자 발현 산물의 발현 또는 활성은 대상체에의 조성물의 투여에 의해 증진된다.

[0162] 일부 경우에, 조성물은 바람직한 치료 효과를 얻기 위해, 1일 1회 이상, 1일당 대상체의 체중의 약 0.0001 mg/kg 내지 약 100 mg/kg, 약 0.001 mg/kg 내지 약 0.05 mg/kg, 약 0.005 mg/kg 내지 약 0.05 mg/kg, 약 0.001 mg/kg 내지 약 0.005 mg/kg, 약 0.05 mg/kg 내지 약 0.5 mg/kg, 약 0.01 mg/kg 내지 약 50 mg/kg, 약 0.1 mg/kg 내지 약 40 mg/kg, 약 0.5 mg/kg 내지 약 30 mg/kg, 약 0.01 mg/kg 내지 약 10 mg/kg, 약 0.1 mg/kg 내지 약 10 mg/kg, 또는 약 1 mg/kg 내지 약 25 mg/kg을 전달하는데 충분한 투여량 수준으로 투여된다.

[0163] 일부 경우에, 투여되는 조성물의 바이러스 게놈 (vg) 농도는 킬로그램 (kg)당 1.0 x10^{11} vg 내지 1.0 x10^{16} vg/kg이다. 일부 경우에, 감염성 입자의 농도는 적어도 또는 약 10^{7}, 10^{8}, 10^{9}, 10^{10}, 10^{11}, 10^{12}, 10^{13}, 10^{14}, 10^{15}, 10^{16}, 또는 10^{17}이다. 일부 경우에, 감염성 입자의 농도는 2x10^{7}, 2x10^{8}, 2x10^{9}, 2x10^{10}, 2x10^{11}, 2x10^{12}, 2x10^{13}, 2x10^{14}, 2x10^{15}, 2x10^{16}, 또는 2x10^{17}이다. 일부 경우에, 감염성 입자의 농도는 3x10^{7}, 3x10^{8}, 3x10^{9}, 3x10^{10}, 3x10^{11}, 3x10^{12}, 3x10^{13}, 3x10^{14}, 3x10^{15}, 3x10^{16}, 또는 3x10^{17}이다. 일부 경우에, 감염성 입자의 농도는 4x10^{7}, 4x10^{8}, 4x10^{9}, 4x10^{10}, 4x10^{11}, 4x10^{12}, 4x10^{13}, 4x10^{14}, 4x10^{15}, 4x10^{16}, 또는 4x10^{17}이다. 일부 경우에, 감염성

입자의 농도는 $5x10^{7}$, $5x10^{8}$, $5x10^{9}$, $5x10^{10}$, $5x10^{11}$, $5x10^{12}$, $5x10^{13}$, $5x10^{14}$, $5x10^{15}$, $5x10^{16}$, 또는 $5x10^{17}$이다. 일부 경우에, 감염성 입자의 농도는 $6x10^{7}$, $6x10^{8}$, $6x10^{9}$, $6x10^{10}$, $6x10^{11}$, $6x10^{12}$, $6x10^{13}$, $6x10^{14}$, $6x10^{15}$, $6x10^{16}$, 또는 $6x10^{17}$이다. 일부 경우에, 감염성 입자의 농도는 $7x10^{7}$, $7x10^{8}$, $7x10^{9}$, $7x10^{10}$, $7x10^{11}$, $7x10^{12}$, $7x10^{13}$, $7x10^{14}$, $7x10^{15}$, $7x10^{16}$, 또는 $7x10^{17}$이다. 일부 경우에, 감염성 입자의 농도는 $8x10^{7}$, $8x10^{8}$, $8x10^{9}$, $8x10^{10}$, $8x10^{11}$, $8x10^{12}$, $8x10^{13}$, $8x10^{14}$, $8x10^{15}$, $8x10^{16}$, 또는 $8x10^{17}$이다. 일부 경우에, 감염성 입자의 농도는 $9x10^{7}$, $9x10^{8}$, $9x10^{9}$, $9x10^{10}$, $9x10^{11}$, $9x10^{12}$, $9x10^{13}$, $9x10^{14}$, $9x10^{15}$, $9x10^{16}$, 또는 $9x10^{17}$이다.

[0164] 일부 실시양태에서, 투여의 단계는 1회 수행된다. 대안적으로, 투여의 단계는 적어도 2회 반복된다. 투여의 단계는 매일 1회 수행될 수 있다. 일부 경우에, 투여의 단계는 정맥내 투여를 포함한다. 일부 경우에, 투여는 폐 투여를 포함한다. 일부 경우에, 투여는 비내 투여 (예컨대 분무)를 포함한다. 일부 경우에, 투여의 단계는 조성물을 표적 생체내 환경 내로 주사하는 것을 포함한다. 일부 경우에, 투여의 단계는 조성물을 표적 생체내 환경 내로 주사하는 것을 포함하지 않는다.

[0165] ***대상체***

[0166] 예를 들어 - 대상체에서 질환 또는 병태를 치료하거나 예방하기 위해 AAV 입자 및 바이러스 벡터 중 적어도 하나를 대상체에게 전달하는 방법이 본원에 개시된다. 대상체는 일부 경우에 포유동물이다. 포유동물의 비-제한적 예는 마우스, 래트, 기니아 피그, 토끼, 침팬지, 또는 농장 동물을 포함한다. 일부 경우에, 포유동물은 비-인간 영장류이다. 일부 경우에, 대상체는 인간이다. 본 개시내용의 대상체는 질환 또는 병태로 진단되지 않을 수 있다. 대안적으로, 대상체는 질환 또는 장애로 진단되거나, 질환 또는 장애를 가질 것으로 의심되는 환자일 수 있다.

[0167] ***질환 또는 병태***

[0168] rAAV, 예컨대 본원에 개시된 것들을 포함하는 조성물을 투여함으로써 대상체에서 질환 또는 병태를 치료하는 방법이 본원에 개시된다. 본원에 개시된 rAAV의 적어도 하나의 이점은 rAAV가 척추 근위축증 (SMA), 근위축성 측삭 경화증 (ALS), 파킨슨병, 폼페병, 헌팅톤병, 알츠하이머병, 바튼병, 리소좀 저장 장애, 다형성 교모세포종, 레트 증후군, 레베르 선천성 흑암시, 후기 영아 뉴런성 세로이드 지방갈색소증 (LINCL), 만성 통증, 뇌졸중, 척수 손상, 외상성 뇌 손상 및 리소좀 저장 장애를 포함하나 이에 제한되지는 않는 트랜스진 요법으로부터 이익을 얻을 사실상 임의의 질환 또는 병태를 치료하는데 사용될 수 있다는 것이다.

[0169] 질환 또는 병태는 일부 실시양태에서 정상 개체와 비교하여 유전자 또는 그의 유전자 발현 산물의 감소된 또는 제거된 발현 또는 활성을 특징으로 할 수 있다. 일부 실시양태에서, 정상 개체와 비교하여 유전자 또는 그의 유전자 발현 산물의 증가된 또는 증진된 발현 또는 활성을 특징으로 할 수 있다.

[0170] 일부 경우에, 질환 또는 병태는 대상체에서 특정 생체내 환경, 예를 들어, 뇌 또는 간에 국재화된다. 본 개시내용의 조성물은 이들이 생체내 환경을 특이적으로 표적화하고, 질환 또는 생태의 발병기전 또는 병리학과 관련된 표적 유전자 발현 산물의 활성 또는 발현을 조정하도록 조작된 치료 핵산을 전달하기 때문에, 본원에 기재된 질환 또는 병태의 치료에 특히 유용하다.

[0171] 일부 경우에, 질환 또는 병태는 중추 신경계 (CNS)의 질환 또는 병태를 포함한다. CNS의 질환의 비-제한적 예는 투명 중격 결여, 산 리파제 질환, 산 말타제 결핍증, 후천성 간질성 실어증, 급성 파종성 뇌척수염, 주의력 결핍-과다활동 장애 (ADHD), 아디 동공, 아디 증후군, 부신백질이영양증, 뇌량 무발생, 인식불능증, 에카르디 증후군, 에카르디-구티에르 증후군 장애, AIDS -신경학적 합병증, 알렉산더병, 알페르스병, 교대성 편마비, 알츠하이머병, 근위축성 측삭 경화증 (ALS), 무뇌증, 동맥류, 앙겔만 증후군, 혈관종증, 무산소증, 항인지질 증후군, 실어증, 실행증, 지주막 낭종, 지주막염, 아놀드-키아리 기형, 동정맥 기형, 아스퍼거 증후군, 실조, 모세관확장 실조, 실조 및 소뇌 또는 척수소뇌 변성, 심방 세동 및 뇌졸중, 주의력 결핍-과다활동 장애, 자폐 스펙트럼 장애, 자율신경 기능장애, 요통, 바르트 증후군, 바텐병, 베커 근긴장증, 베체트병, 벨 마비, 양성 본태성 안검연축, 양성 초점성 근위축증, 양성 두개내 고혈압, 베른하르츠-로트 증후군, 빈스완거병, 안검연축, 블로흐-슐츠베르거 증후군, 완신경총 출생 손상, 완신경총 손상, 브라드버리-에글레스톤 증후군, 뇌 및 척추 종양, 뇌 동맥류, 뇌 손상, 브라운-세쿼드 증후군, 연수척수 근위축증, 피질하 경색 및 백질뇌병증을 갖는 대뇌 상염색체 우성 동맥병증 (CADASIL), 카나반병, 손목굴 증후군, 작열통, 해면종, 해면성 혈관종, 해면 기형, 중심 경부 인대 증후군, 중심 척수 증후군, 중추 통증 증후군, 중심 교뇌 수초용해증, 두부 장애, 세라미다제 결핍증, 소뇌

변성, 소뇌 형성저하증, 뇌동맥류, 뇌 동맥경화증, 뇌 위축증, 뇌 각기병, 뇌 해면 기형, 뇌성 거인증, 뇌 저산소증, 뇌성 마비, 뇌-안구-안면-골격 증후군 (COFS), 샤르코-마리-투스병, 샤르코-마리-투스 증후군, 고전적 어깨엉덩관절 점상 연골형성이상 (RCDP), 키아리 기형, 콜레스테롤 에스테르 저장 질환, 무도병, 유극적혈구증가무도병, 만성 염증성 탈수초 다발신경병증 (CIDP), 만성 기립 불내성, 만성 통증, 코케인 증후군 유형 II, 코핀 로우리 증후군, 거대후두각, 혼수, 복합 부위 통증 증후군, 선천성 안면 양측마비, 선천성 근무력증, 선천성 근병증, 선천성 혈관 해면 기형, 피질기저부 변성, 두개 동맥염, 두개골유합증, 크리 뇌염, 크로이츠펠트-야콥병, 누적 외상 장애, 쿠싱 증후군, 세포거대 봉입체 질환, 시토메갈로바이러스 감염, 안구간대경련-근간대경련 증후군, 대니-워커 증후군, 도손병, 난청, 드 무시에 증후군, 데제린-클룸프케 마비, 치매, 치매 -다발성 -경색, 치매 - 문의성, 치매 -피질하, 레비 소체를 갖는 치매, 치아 소뇌 실조, 치아적색 위축증, 피부근육염, 발달성 행동곤란증, 데빅 증후군, 당뇨병성 신경병증, 미만성 경화증, 드라베 증후군, 뒤시엔느 근육 이영양증, 자율신경기능이상, 필기장애, 읽기장애, 연하곤란, 행동곤란증, 미오클로누스성 소뇌성 근실조, 진행성 소뇌성 근실조, 긴장이상, 조기 영아 간질성 뇌병증, 빈 안장 증후군, 뇌염, 기면성 뇌염, 뇌낭류, 뇌병증, 뇌병증 (가족성 영아), 뇌삼차신경 혈관종증, 간질, 간질성 편마비, 에르브 마비, 에르브-뒤시엔느 및 데제린-클룸프케 마비, 본태성 진전, 엑스트라폰틴 수초용해증, 파브리병, 파르 증후군, 실신, 가족성 자율신경기능이상, 가족성 혈관종, 가족성 특발성 기저핵 석회화, 가족성 주기성 마비, 가족성 강직성 마비, 파버병, 열 발작, 섬유근육 이형성증, 피셔 증후군, 저긴장 영아 증후군, 족하수, 프리드리히 실조, 전두측두엽 치매, 고쉐병, 전신 강글리오시드증, 게르스트만 증후군, 게르스트만-스트라우슬러-샤인커병, 거대 축삭 신경병증, 거대 세포 동맥염, 거대 세포 봉입 질환, 교모세포종, 구상 세포 백질이영양증, 설인 신경통, 글리코겐 저장 질환, 길랑-바레 증후군, 할러보르덴-슈파츠병, 두부 손상, 두통, 지속성 반두통, 반얼굴 연축, 교대성 편마비, 유전성 신경병증, 유전성 강직성 하반신마비, 유전성 다발신경염성 실조, 대상 포진, 귀 대상 포진, 히라야마 증후군, 홀메스-아디 증후군, 완전 전뇌증, HTLV-1 연관 척수병증, 휴스 증후군, 헌팅톤병, 무뇌수두증, 수두증, 수두증 - 정상 압력, 수척수증, 고코르티솔증, 과다수면증, 과다근육긴장증, 근육긴장저하증, 저산소증, 면역-매개 뇌척수염, 봉입체 근육염, 색소 실조증, 영아 근육긴장저하증, 영아 신경축삭 이영양증, 영아 피탄산 저장 질환, 영아 레프숨병, 영아 연축, 염증성 근육병증, 대후두공뇌탈출기형, 장 지방이영양증, 두개내 낭종, 두개내 고혈압, 아이삭스 증후군, 주버트 증후군, 컨스-세이어 증후군, 케네디병, 킨스본 증후군, 클라인-레빈 증후군, 클리펠-파일 증후군, 클리펠-트레노네이 증후군 (KTS), 클리버-부시 증후군, 코르사코프 건망 증후군, 크라베병, 쿠겔베르크-웰란더병, 쿠루, 램버트-이튼 근무력 증후군, 란다우-클레프너 증후군, 측방 대퇴골 피부 신경 포착증, 측방 연수 증후군, 학습 장애, 라이병, 레녹스-가스토 증후군, 레슈-니한 증후군, 백질이영양증, 레빈-크리츨리 증후군, 레비 소체 치매, 지질 저장 질환, 지방 단백증, 평평뇌증, 감금 증후군, 루게릭병, 루푸스 -신경학적 후유증, 라임병 - 신경학적 합병증, 마카도-조셉병, 대뇌증, 거대뇌증, 멜커슨-로센탈 증후군, 수막염, 수막염 및 뇌염, 멘케스병, 대퇴 감각이상증, 이염색성 백질이영양증, 소두증, 편두통, 밀러 피셔 증후군, 미니 뇌졸중, 미토콘드리아 근병증, 뫼비우스 증후군, 단일 근위축증, 운동 뉴런 질환, 모야모야병, 점액지질증, 점액다당류증, 다발-경색 치매, 다초점성 운동 신경병증, 다발 경화증, 다중계 위축증, 기립성 저혈압을 갖는 다중계 위축증, 근육 이영양증, 근무력증 -선천성, 중증 근무력증, 수초탈락성 미만성 경화증, 영아의 근간대성 뇌병증, 근간대경련, 근병증, 근병증- 선천성, 근병증 -갑상선중독성, 근긴장증, 선천성 근긴장증, 기면증, 신경유극적혈구증가증, 뇌철 축적을 갖는 신경변성, 신경섬유종증, 신경이완제 악성 증후군, AIDS의 신경학적 합병증, 라임병의 신경학적 합병증, 시토메갈로바이러스 감염의 신경학적 결과, 폼페병의 신경학적 소견, 루푸스의 신경학적 후유증, 시각 신경척수염, 신경근긴장증, 뉴런성 세로이드 지방갈색소증, 뉴런성 이동 장애, 신경병증- 유전성, 신경사르코이드증, 신경매독, 신경독성, 해면성 모반, 니만-픽병, 오설리반-맥레오드 증후군, 후두 신경통, 오타하라 증후군, 올리브뇌교소뇌 위축증, 안진전성 근간대경련, 기립성 저혈압, 과용 증후군, 통증 -만성, 판토테네이트 키나제-연관 신경변성, 신생물딸림 증후군, 감각이상, 파킨슨병, 발작성 무도무정위운동, 발작성 반두통, 패리-롬베르그, 펠리자에우스-메르츠바허병, 페나 쇼카이어 II 증후군, 신경주위 낭종, 주기성 마비, 말초 신경병증, 뇌실주위 백질연화증, 지속성 식물 상태, 전반적 발달 장애, 피탄산 저장 질환, 픽병, 신경 조임, 이상근 증후군, 뇌하수체 종양, 다발근육염, 폼페병, 공뇌증, 포스트-폴리오 증후군, 대상포진후 신경통, 감염후 뇌척수염, 체위성 저혈압, 체위성 기립성 빈맥 증후군, 체위성 빈맥 증후군, 원발성 치상핵 위축증, 원발성 측방 경화증, 원발성 진행성 실어증, 프리온병, 진행성 반얼굴 위축증, 진행성 운동 실조, 진행성 다초점성 백질뇌병증, 진행성 경화성 회백질이영양증, 진행성 핵상 마비, 얼굴인식불능증, 슈도-토르치 증후군, 슈도톡소플라스마증 증후군, 가뇌종양, 심인성 운동, 람세이 헌트 증후군 I, 람세이 헌트 증후군 II, 라스무센 뇌염, 반사 교감신경 이영양증 증후군, 레프숨병, 레프숨병 - 영아, 반복적 운동 장애, 반복적 스트레스 손상, 하지 불안 증후군, 레트로바이러스-연관 척수병증, 레트 증후군, 라이에 증후군, 류마티스성 뇌염, 릴리-데이 증후군, 천골 신경 근낭종, 무도병, 타액선 질환, 샌드호프병, 쉴더병, 뇌갈림증, 사이텔베르거병, 발작 장애, 문의성 치매, 중격-시신

경 이형성증, 영아기의 중증 근간대성 간질 (SMEI), 흔들린 아이 증후군, 대상포진, 샤이-드래거 증후군, 쇼그렌 증후군, 수면 무호흡, 수면병, 소토스 증후군, 경직, 척추 갈림증, 척수 경색, 척수 손상, 척수 종양, 척추근위축증, 척수소뇌 위축증, 척수소뇌 변성, 스틸-리차드슨-올스제브스키 증후군, 강직 증후군, 선조체흑질 변성, 뇌졸중, 스터지-웨버 증후군, 아급성 경화성 범뇌염, 피질하 동맥경화성 뇌병증, 단기-지속 일방 신경통유사 (SUNCT) 두통, 연하 장애, 시덴함 무도병, 실신, 매독성 척추 경화증, 척수수공동증, 척수공동증, 전신성 홍반성 루푸스, 척수 매독, 지연성 운동이상증, 타를로프 낭종, 테이-삭스병, 관자 동맥염, 계류 척수 증후군, 톰슨 근긴장증, 흉곽 출구 증후군, 갑상선중독성 근병증, 동통성 티크, 토드 마비, 뚜렛 증후군, 일과성 허혈 발작, 전파성 해면형 뇌병증, 횡단성 척수염, 외상성 뇌 손상, 진전, 삼차 신경통, 열대성 강직성 하반신마비, 트로이어 증후군, 결절성 경화증, 혈관 직립성 종양, 중추 및 말초 신경계의 혈관염 증후군, 폰 에코노모병, 폰 히펠-린다우병 (VHL), 폰 레클링하우젠병, 발렌베르크 증후군, 베르디니히-호프만병, 베르니케-코르사코프 증후군, 웨스트 증후군, 편타, 휘플병, 윌리암스 증후군, 윌슨병, 울만병, 및 X-연관 척추 및 연수 근위축증을 포함한다.

[0172] 일부 경우에, 질환 또는 병태는 간 질환 또는 장애를 포함하거나, 간 질환 또는 장애와 연관된다. 비-제한적 예는 담즙산 합성의 장애 (예를 들어, 윌슨병, 진행성 가족성 간내 담즙정체 유형 3), 탄수화물 대사의 장애 (예를 들어, 유전성 프룩토스 불내성, 글리코겐 저장 질환 유형 IV), 아미노산 대사의 장애 (예를 들어, 티로신혈증 유형 I), 우레아 사이클 장애 (예를 들어, 아르기니노숙시네이트 리아제 결핍증, 시트린 결핍증 (CTLN2, NICCD)), 지질 대사의 장애 (예를 들어, 콜레스테릴 에스테르 저장 질환), 및 알파-1 안티트립신 결핍증, 낭성 섬유증, 유전성 혈색소침착증, 알스트롬 증후군, 및 선천성 간 섬유증을 포함하나 이에 제한되지는 않는 기타를 포함한다.

[0173] 일부 경우에, 질환 또는 병태는 간의 질환 또는 병태이다. 간 질환 또는 장애의 비-제한적 예는 알라질 증후군, 알콜-관련 간 질환, 알파-1 안티트립신 결핍증, 자가면역 간염, 양성 간 종양, 담관 폐쇄증, 경화증, 크리글러-나자르 증후군, 갈락토스혈증, 길버트 증후군, 혈색소침착증, 간성 뇌병증, A형 간염, B형 간염, C형 간염, 간신장 증후군, 임신의 간내 담즙정체 (ICP), 리소좀산 리파제 결핍증 (LAL-D), 간 낭종, 간암, 신생아 황달, 비-알콜성 지방간 질환, 원발성 담즙성 담관염 (PBC), 원발성 경화성 담관염 (PSC), 라이에 증후군, 유형 I 글리코겐 저장 질환, 및 윌슨병을 포함한다.

[0174] 본 개시내용의 이종 핵산을 캡시드화하는 rAAV를 투여함으로써 대상체에서 표적 유전자 또는 유전자 발현 산물의 발현 또는 활성을 조정하는 것을 포함하는, 표적 유전자 또는 그의 유전자 발현 산물의 비정상적 발현 또는 활성과 연관된 질환 또는 병태를 치료하는 방법이 본원에 제공된다. 일부 경우에, 투여는 전신 투여이다. 일부 경우에, 표적 유전자 또는 유전자 발현 산물의 발현 또는 활성은 정상 (비-질환에 걸린) 개체에서의 그것에 비해 감소되고; rAAV를 대상체에게 투여하는 것은 표적 유전자 또는 유전자 발현 산물의 발현 또는 활성을 정상 개체의 그것으로 증가시키는데 충분하다. 일부 경우에, 유전자 또는 유전자 발현 산물의 발현 또는 활성은 정상 개체에서의 그것에 비해 증가되고; rAAV를 대상체에게 투여하는 것은 표적 유전자 또는 유전자 발현 산물의 발현 또는 활성을 감소시키는데 충분하다. 비-제한적 예에서, 일부 경우에, 프레세닐린 1 및/또는 프레세닐린 2 (각각 유전자 PSEN1 및 PSEN2에 의해 코딩됨)의 기능의 획득에 의해 유발되는 알츠하이머병으로 진단된 대상체는 침묵 RNA (siRNA), 또는 PSEN1 mRNA에 대한 기능의 소실 효과를 갖는 다른 RNAi인 치료 핵산을 캡시드화하는 본원에 개시된 rAAV가 투여된다.

[0175] 또한, 본원에 기재된 치료 유전자 발현 산물을 코딩하는 핵산 서열을 포함하는 AAV 벡터의 치료 유효량을 대상체에게 투여하는 것을 포함하는, 대상체에서 본원에 개시된 질환 또는 병태를 치료하거나 예방하는 방법이 제공된다. AAV 벡터는 본원에 기재된 변형된 캡시드 단백질 또는 AAV 바이러스 입자에 캡시드화될 수 있다. 일부 경우에, 치료 유전자 발현 산물은 표적 유전자 또는 유전자 발현 산물의 활성 또는 발현을 조정하는데 유효하다.

[0176] ***제제, 투여량, 및 투여의 경로***

[0177] 일반적으로, 본원에 개시된 방법은 전신 투여에 의해 치료 rAAV 조성물을 투여하는 것을 포함한다. 일부 경우에, 방법은 경구 투여에 의해 치료 rAAV 조성물을 투여하는 것을 포함한다. 일부 경우에, 방법은 복강내 주사에 의해 치료 rAAV 조성물을 투여하는 것을 포함한다. 일부 경우에, 방법은 항문 좌제의 형태로 치료 rAAV 조성물을 투여하는 것을 포함한다. 일부 경우에, 방법은 정맥내 ("i.v.") 투여에 의해 치료 rAAV 조성물을 투여하는 것을 포함한다. 다른 경로, 예컨대 피하 주사, 근육내 주사, 진피내 주사, 경진피 주사, 경피 투여, 비내 투여, 림프내 주사, 직장 투여, 위내 투여, 안구내 투여, 뇌실내 투여, 경막내로, 또는 임의의 다른 적합한 비

경구 투여에 의해 본원에 개시된 치료 rAAV 조성물을 또한 투여할 수 있음이 상정가능하다. 일부 경우에, 방법은 국소 투여에 의해, 예를 들어, rAAV 조성물을 대상체의 영역 (예를 들어, 고막, 방광)에 브러싱하거나 다르게는 접촉시킴으로써 치료 rAAV 조성물을 투여하는 것을 포함한다. 일부 실시양태에서, 손상 또는 염증의 부위와 보다 가까운 국소 전달을 위한 경로는 전신 경로에 비해 바람직하다. 치료제를 투여하는 경로, 투여량, 시점, 및 지속기간은 조정될 수 있다. 일부 실시양태에서, 치료제의 투여는 질환 또는 병태의 급성 및 만성 증상 중 어느 하나 또는 둘 다의 발병 전, 또는 후이다.

[0178] 본원에 개시된 질환 또는 병태를 예방하거나 치료하기 위한 제약 조성물의 유효 용량 및 투여량은 질환 또는 병태, 또는 질환 또는 병태의 증상과 관련된 관찰된 유익한 반응에 의해 한정된다. 유익한 반응은 질환 또는 병태, 또는 질환 또는 병태의 증상을 예방하거나, 경감시키거나, 정지시키거나, 치유하는 것을 포함한다. 일부 실시양태에서, 유익한 반응은 대상체에서의 바이오마커, 트랜스크립톰 위험 프로파일, 또는 장 마이크로바이옴의 존재, 수준, 또는 활성의 측정가능한 개선을 검출함으로써 측정될 수 있다. 본원에 사용된 "개선"은 정상 개체 (예를 들어 질환 또는 병태를 앓고 있지 않은 개체)에서 관찰된 존재, 수준, 또는 활성을 향한 존재, 수준, 또는 활성의 이동을 지칭한다. 치료 rAAV 조성물이 치료 유효하지 않거나 질환 또는 병태, 또는 질환 또는 병태의 증상의 충분한 경감을 제공하지 않는 경우, 투여량 및/또는 투여의 경로는 변화될 수 있거나, 추가의 작용제가 치료 rAAV 조성물과 함께 대상체에게 투여될 수 있다. 일부 실시양태에서, 환자가 치료 rAAV 조성물의 레지멘에 착수됨에 따라, 환자는 또한 제2 치료 레지멘을 끊을 수 있다 (예를 들어, 용량의 단계적 감소).

[0179] 일부 실시양태에서, 본 개시내용에 따른 제약 조성물은 바람직한 치료, 진단, 또는 예방 효과를 얻기 위해, 1일 1회 이상, 1일당 대상체 체중의 약 0.0001 mg/kg 내지 약 100 mg/kg, 약 0.001 mg/kg 내지 약 0.05 mg/kg, 약 0.005 mg/kg 내지 약 0.05 mg/kg, 약 0.001 mg/kg 내지 약 0.005 mg/kg, 약 0.05 mg/kg 내지 약 0.5 mg/kg, 약 0.01 mg/kg 내지 약 50 mg/kg, 약 0.1 mg/kg 내지 약 40 mg/kg, 약 0.5 mg/kg 내지 약 30 mg/kg, 약 0.01 mg/kg 내지 약 10 mg/kg, 약 0.1 mg/kg 내지 약 10 mg/kg, 또는 약 1 mg/kg 내지 약 25 mg/kg을 전달하는데 충분한 투여량 수준으로 투여될 수 있다. 상기 투여 농도는 vg 또는 kg당 바이러스 게놈으로 또는 관련 기술분야의 통상의 기술자에 의해 투여되는 총 바이러스 게놈으로 전환될 수 있다.

[0180] 일부 경우에, 제약 조성물의 용량은 적어도 또는 약 10^7, 10^8, 10^9, 10^{10}, 10^{11}, 10^{12}, 10^{13}, 10^{14}, 10^{15}, 10^{16}, 또는 10^{17}의 감염성 입자의 농도를 포함할 수 있다. 일부 경우에, 감염성 입자의 농도는 $2x10^7$, $2x10^8$, $2x10^9$, $2x10^{10}$, $2x10^{11}$, $2x10^{12}$, $2x10^{13}$, $2x10^{14}$, $2x10^{15}$, $2x10^{16}$, 또는 $2x10^{17}$이다. 일부 경우에, 감염성 입자의 농도는 $3x10^7$, $3x10^8$, $3x10^9$, $3x10^{10}$, $3x10^{11}$, $3x10^{12}$, $3x10^{13}$, $3x10^{14}$, $3x10^{15}$, $3x10^{16}$, 또는 $3x10^{17}$이다. 일부 경우에, 감염성 입자의 농도는 $4x10^7$, $4x10^8$, $4x10^9$, $4x10^{10}$, $4x10^{11}$, $4x10^{12}$, $4x10^{13}$, $4x10^{14}$, $4x10^{15}$, $4x10^{16}$, 또는 $4x10^{17}$이다. 일부 경우에, 감염성 입자의 농도는 $5x10^7$, $5x10^8$, $5x10^9$, $5x10^{10}$, $5x10^{11}$, $5x10^{12}$, $5x10^{13}$, $5x10^{14}$, $5x10^{15}$, $5x10^{16}$, 또는 $5x10^{17}$이다. 일부 경우에, 감염성 입자의 농도는 $6x10^7$, $6x10^8$, $6x10^9$, $6x10^{10}$, $6x10^{11}$, $6x10^{12}$, $6x10^{13}$, $6x10^{14}$, $6x10^{15}$, $6x10^{16}$, 또는 $6x10^{17}$이다. 일부 경우에, 감염성 입자의 농도는 $7x10^7$, $7x10^8$, $7x10^9$, $7x10^{10}$, $7x10^{11}$, $7x10^{12}$, $7x10^{13}$, $7x10^{14}$, $7x10^{15}$, $7x10^{16}$, 또는 $7x10^{17}$이다. 일부 경우에, 감염성 입자의 농도는 $8x10^7$, $8x10^8$, $8x10^9$, $8x10^{10}$, $8x10^{11}$, $8x10^{12}$, $8x10^{13}$, $8x10^{14}$, $8x10^{15}$, $8x10^{16}$, 또는 $8x10^{17}$이다. 일부 경우에, 감염성 입자의 농도는 $9x10^7$, $9x10^8$, $9x10^9$, $9x10^{10}$, $9x10^{11}$, $9x10^{12}$, $9x10^{13}$, $9x10^{14}$, $9x10^{15}$, $9x10^{16}$, 또는 $9x10^{17}$이다.

[0181] 일부 실시양태에서 본원에 기재된 rAAV 조성물의 전달에 적합한 제약상-허용되는 부형제 및 담체 용액의 제제, 뿐만 아니라 다양한 치료 레지멘에서 본원에 기재된 특정 조성물을 사용하기 위한 적합한 투여 및 치료 레지멘이 본원에 개시된다. 일부 실시양태에서, 각각의 치료-유용한 조성물에서의 치료 유전자 발현 산물의 양은 적합한 투여량이 화합물의 임의의 주어진 단위 용량에서 얻어질 방식으로 제조될 수 있다. 용해도, 생체이용률, 생물학적 반감기, 투여의 경로, 산물 저장 수명과 같은 인자, 뿐만 아니라 다른 약리학적 고려사항은 이러한 제약 제제를 제조하는 관련 기술분야의 통상의 기술자에 의해 고려될 것이고, 따라서, 다양한 투여량 및 치료 레지멘이 바람직할 수 있다. 일부 경우에, rAAV 조성물은 안구내로, 유리체내로, 비경구로, 피하로, 정맥내로, 뇌실내로, 근육내로, 경막내로, 경구로, 복강내로, 경구 또는 비내 흡입에 의해, 또는 직접 주사에 의한 1개 이상의 세포, 조직, 또는 기관에의 직접 주사에 의해 전달되는 본원에 개시된 적합하게 제제화된 제약

조성물이다.

[0182] 일부 실시양태에서, 주사가능한 용도에 적합한 AAV-기반 바이러스 조성물의 제약 형태는 멸균 주사가능한 용액 또는 분삭액의 즉석 제조를 위한 멸균 수용액 또는 분산액 및 멸균 분말을 포함한다. 담체는 예를 들어, 물, 에탄올, 폴리올 (예를 들어, 글리세롤, 프로필렌 글리콜, 및 액체 폴리에틸렌 글리콜 등), 이들의 적합한 혼합물, 및/또는 식물성 오일을 함유하는 용매 또는 분산 매질일 수 있다. 적절한 유동성은 예를 들어, 코팅, 예컨대 레시틴의 사용에 의해, 분산액의 경우 필요한 입자 크기의 유지에 의해, 및 계면활성제의 사용에 의해 유지될 수 있다. 미생물의 작용의 방지는 다양한 항박테리아제 및 항진균제, 예를 들어, 파라벤, 클로로부탄올, 페놀, 소르브산, 티메로살 등에 의해 야기될 수 있다. 많은 경우에, 등장화제, 예를 들어, 당 또는 염화나트륨을 포함시키는 것이 바람직할 것이다. 주사가능한 조성물의 연장된 흡수는 흡수를 지연시키는 작용제, 예를 들어, 알루미늄 모노스테아레이트 및 젤라틴을 조성물에 사용함으로써 야기될 수 있다.

[0183] 일부 경우에, 주사가능한 수용액의 투여를 위해, 예를 들어, 용액은 적합하게는 완충될 수 있고, 필요에 따라, 액체 희석제는 먼저 충분한 염수 또는 글루코스로 등장성이 될 수 있다. 이들 특정 수용액은 정맥내, 근육내, 피하 및 복강내 투여에 특히 적합하다. 투여량의 일부 변화는 반드시 치료되는 대상체의 병태에 따라 일어날 것이다. 투여를 담당하는 사람은 어떤 경우에도 개별적 대상체에 대한 적절한 용량을 결정할 것이다. 더욱이, 인간 투여를 위해, 제제는 FDA 생물제제 표준청 표준에 의해 요구되는 바와 같은 멸균성, 발열성, 및 일반적 안전성 및 순도 표준을 충족시켜야 한다.

[0184] 상기 열거된 몇몇 다른 성분을 갖는 적절한 용매에 필요한 양으로 본원에 개시된 rAAV 조성물을 혼입시키고, 필요에 따라, 이어서 멸균 여과함으로써 제조된 본원에 개시된 rAAV 조성물을 포함하는 멸균 주사가능한 용액이 본원에 개시된다. 일반적으로, 분산액은 다양한 멸균된 활성 성분을 염기성 분산 매질 및 상기 열거된 것들로부터의 필요한 다른 성분을 함유하는 멸균 비히클 내로 혼입시킴으로써 제조된다. 멸균 주사가능한 용액의 제조를 위한 멸균 분말의 경우, 바람직한 제조 방법은 활성 성분 플러스 그의 이전에 멸균-여과된 용액으로부터의 임의의 추가의 바람직한 성분의 분말을 산출하는 진공-건조 및 동결-건조 기술이다. 주사가능한 용액은 예를 들어 정맥내 투여에 의해 전신 투여에 유리할 수 있다.

[0185] 또한, 중성 또는 염 형태의 제제가 본원에 제공된다. 제약상-허용되는 염은 산 부가 염 (단백질의 유리 아미노기로 형성됨)을 포함하고, 이는 무기 산, 예컨대, 예를 들어, 염산 또는 인산, 또는 아세트산, 옥살산, 타르타르산, 만델산 등과 같은 유기 산으로 형성된다. 유리 카르복실 기로 형성된 염은 또한 무기 염기, 예컨대, 예를 들어, 나트륨, 칼륨, 암모늄, 칼슘, 또는 제2철 수산화물, 및 이소프로필아민, 트리메틸아민, 히스티딘, 프로카인 등과 같은 유기 염기로부터 유래될 수 있다. 제제화 시, 용액은 투여 제제와 혼화성인 방식으로 및 치료 유효한 양으로 투여될 것이다. 제제는 다양한 투여 형태, 예컨대 주사가능한 용액, 약물-방출 캡슐 등으로 용이하게 투여된다.

[0186] 폐 투여는 유리하게는 협측 투여를 통해 달성될 수 있다. 일부 실시양태에서, 제제는 활성 성분을 포함하는 건조 입자를 포함할 수 있다. 이러한 실시양태에서, 건조 입자는 약 0.5 nm 내지 약 7 nm 또는 약 1 nm 내지 약 6 nm의 범위의 직경을 가질 수 있다. 일부 실시양태에서, 제제는 추진제의 스트림이 이러한 분말을 분산시키도록 지정될 수 있는 건조 분말 저장소를 포함하는 장치를 사용한 투여를 위한 건조 분말의 형태일 수 있다. 일부 실시양태에서, 자기-추진 용매/분말 분배 용기가 사용될 수 있다. 이러한 실시양태에서, 활성 성분은 밀봉된 용기에서 저-비점 추진제에 용해되고/거나 현탁될 수 있다. 이러한 분말은 입자를 포함할 수 있으며, 여기서 중량으로 입자의 적어도 98%는 0.5 nm 초과의 직경을 갖고, 수로 입자의 적어도 95%는 7 nm 미만의 직경을 갖는다. 대안적으로, 중량으로 입자의 적어도 95%는 1 nm 초과의 직경을 갖고, 수로 입자의 적어도 90%는 6 nm 미만의 직경을 갖는다. 건조 분말 조성물은 고체 미세 분말 희석제, 예컨대 당을 포함할 수 있고, 편리하게는 단위 용량 형태로 제공된다. 저 비점 추진제는 일반적으로 대기압에서 65 °F 미만의 비점을 갖는 액체 추진제를 포함한다. 일반적으로, 추진제는 조성물의 50% 내지 99.9% (w/w)를 구성할 수 있고, 활성 성분은 조성물의 0.1% 내지 20% (w/w)를 구성할 수 있다. 추진제는 추가의 성분, 예컨대 액체 비-이온성 및/또는 고체 음이온성 계면활성제 및/또는 고체 희석제 (활성 성분을 포함하는 입자와 동일한 정도의 입자 크기를 가질 수 있음)를 추가로 포함할 수 있다.

[0187] 폐 전달을 위해 제제화된 제약 조성물은 용액 및/또는 현탁액의 액적의 형태로 활성 성분을 제공할 수 있다. 이러한 제제는 활성 성분을 포함하는, 임의로 멸균의 수성 및/또는 희석제 알콜 용액 및/또는 현탁액으로서 제조, 패키징, 및/또는 판매될 수 있고, 편리하게는 임의의 연무화 및/또는 분무화 장치를 사용하여 투여될 수 있다. 이러한 제제는 향미제, 예컨대 사카린 나트륨, 휘발성 오일, 완충제, 표면-활성제, 및/또는 보존제, 예컨

대 메틸 히드록시벤조에이트를 포함하나 이에 제한되지는 않는 1종 이상의 추가의 성분을 추가로 포함할 수 있다. 이 투여의 경로에 의해 제공되는 액적은 약 0.1 nm 내지 약 200 nm의 범위의 평균 직경을 가질 수 있다. 폐 전달에 유용한 본원에 기재된 제제는 또한 비내 전달에 유용할 수 있다. 일부 실시양태에서, 비내 투여를 위한 제제는 활성 성분을 포함하고 약 0.2 μm 내지 500 μm의 평균 입자 크기를 갖는 조질 분말을 포함한다. 이러한 제제는 스너프가 취해지는 방식으로, 즉, 코에 가깝게 유지된 분말의 용기로부터의 비내 통과를 통한 급속 흡입에 의해 투여된다.

[0188] 비내 투여에 적합한 제제는 예를 들어, 약 0.1% (w/w)만큼 적고 100% (w/w)만큼 많은 활성 성분을 포함할 수 있고, 본원에 기재된 추가의 성분 중 1종 이상을 포함할 수 있다. 제약 조성물은 협측 투여에 적합한 제제로 제조, 패키징, 및/또는 판매될 수 있다. 이러한 제제는 예를 들어, 통상적인 방법을 사용하여 제조된 정제 및/또는 로젠지의 형태일 수 있고, 예를 들어, 0.1% 내지 20% (w/w) 활성 성분, 경구로 용해가능한 및/또는 분해가능한 조성물을 포함하는 나머지, 및 임의로, 본원에 기재된 추가의 성분 중 1종 이상을 포함할 수 있다. 대안적으로, 협측 투여에 적합한 제제는 활성 성분을 포함하는 분말 및/또는 에어로졸화된 및/또는 분무된 용액 및/또는 현탁액을 포함할 수 있다. 이러한 분말화된, 에어로졸화된, 및/또는 에어로졸화된 제제는, 분산되는 경우, 약 0.1 nm 내지 약 200 nm의 범위의 평균 입자 및/또는 액적 크기를 포함할 수 있고, 본원에 기재된 임의의 추가의 성분 중 1종 이상을 추가로 포함할 수 있다.

[0189] 대상체에게 투여되는 적합한 용량 및 투여량은 특정 치료 rAAV 조성물, 질환 병태 및 그의 중증도, 치료를 필요로 하는 대상체의 신원 (예를 들어, 중량, 성별, 연령)을 포함하나 이에 제한되지는 않는 인자에 의해 결정되고, 예를 들어, 투여되는 특정 작용제, 투여의 경로, 치료되는 병태, 및 치료되는 대상체 또는 숙주를 포함한 사례를 둘러싼 특정 상황에 따라 결정될 수 있다.

[0190] AAV 조성물의 양 및 이러한 조성물의 투여의 시간은 본 교시내용의 이익을 갖는 통상의 기술자의 범위 내에 있을 것이다. 그러나, 개시된 조성물의 치료-유효량의 투여는 단일 투여, 예를 들어, 이러한 치료를 겪는 환자에게 치료 이익을 제공하는 충분한 수의 감염성 입자의 단일 주사에 의해 달성될 수 있음이 가능성 있다. 이는 적어도 부분적으로 특정 표적 세포 (예를 들어, 뉴런)가 분열하지 않는다는 사실에 의해 가능하게 되며, 이는 다중 또는 만성 투여에 대한 필요를 제거한다.

[0191] 대안적으로, 일부 상황에서, 이러한 조성물의 투여를 감독하는 의학 실시자에 의해 결정될 수 있는 바와 같이, 상대적으로 짧은, 또는 상대적으로 연장된 기간에 걸친 AAV 벡터 조성물의 다중, 또는 연속적 투여를 제공하는 것이 바람직할 수 있다. 예를 들어, 포유동물에게 투여되는 감염성 입자의 수는 치료되는 특정 질환 또는 장애의 요법을 달성하는데 필요할 수 있는 바와 같이 단일 용량으로서, 또는 2회 이상의 투여로 나누어 주어지는 약 10^{7}, 10^{8}, 10^{9}, 10^{10}, 10^{11}, 10^{12}, 10^{13}, 또는 훨씬 더 높은 감염성 입자/ml의 정도일 수 있다. 사실, 특정 실시양태에서, 단독으로, 또는 특정 요법 레지멘의 바람직한 효과를 달성하기 위해 1종 이상의 다른 치료 약물과 조합으로, 2종 이상의 상이한 AAV 벡터 조성물을 투여하는 것이 바람직할 수 있다. 다양한 실시양태에서, 일일 및 단위 투여량은 사용되는 치료 rAAV 조성물의 활성, 치료되는 질환 또는 병태, 투여의 방식, 개별적 대상체의 요건, 치료되는 질환 또는 병태의 중증도, 및 실시자의 판단을 포함하나 이에 제한되지는 않는 다수의 변수에 따라 변경된다.

[0192] 일부 실시양태에서, 치료 rAAV 조성물의 투여는 매시간, 2시간, 3시간, 4시간, 5시간, 6시간, 7시간, 8시간, 9시간, 10시간, 11시간, 12시간, 13시간, 14시간, 15시간, 16시간, 17시간, 18시간, 19시간, 20시간, 21시간 22시간, 23시간, 1일, 2일, 3일, 4일, 5일, 6일, 7일, 8일, 9일, 10일, 11일, 12일, 13일, 14일, 15일, 1개월, 2개월, 3개월, 4개월, 5개월, 6개월, 7개월, 8개월, 9개월, 10개월, 11개월, 1년, 2년, 3년, 4년, 또는 5년, 또는 10년마다 1회이다. 유효 투여량 범위는 치료에 대한 대상체의 반응에 기반하여 조정될 수 있다. 일부 투여의 경로는 다른 경로보다 더 높은 농도의 치료제의 유효량을 필요로 할 것이다.

[0193] 본 개시내용의 이점을 고려하여 예상되지는 않지만, 환자의 병태가 개선되지 않는 특정 실시양태에서, 의사의 재량에 따라, 치료 rAAV 조성물의 투여는 환자의 질환 또는 병태의 증상을 개선시키거나 다르게는 제어하거나 제한하기 위해, 만성적으로, 즉, 환자의 생애의 지속기간 전반에 걸쳐를 포함한 연장된 기간 동안 투여된다. 환자의 병태가 개선되는 특정 실시양태에서, 투여되는 치료 rAAV 조성물의 용량은 특정 길이의 시간 동안 일시적으로 감소되거나 일시적으로 연기될 수 있다 (즉, "약물 휴일"). 구체적인 실시양태에서, 약물 휴일의 길이는 단지 예로서 2일, 3일, 4일, 5일, 6일, 7일, 10일, 12일, 15일, 20일, 28일, 또는 28일 초과를 포함한 2일 내지 1년이다. 약물 휴일 동안의 용량 감소는 단지 예로서 10%, 15%, 20%, 25%, 30%, 35%, 40%, 45%, 50%, 55%, 60%, 65%, 70%, 75%, 80%, 85%, 90%, 95%, 및 100%를 포함한, 단지 예로서 10% 내지 100%이다. 특정 실

시양태에서, 투여되는 약물의 용량은 특정 길이의 시간 동안 일시적으로 감소되거나 일시적으로 연기될 수 있다 (즉, "약물 전환"). 구체적인 실시양태에서, 약물 전환의 길이는 단지 예로서 2일, 3일, 4일, 5일, 6일, 7일, 10일, 12일, 15일, 20일, 28일, 또는 28일 초과를 포함한 2일 내지 1년이다. 약물 전환 동안의 용량 감소는 단지 예로서 10%, 15%, 20%, 25%, 30%, 35%, 40%, 45%, 50%, 55%, 60%, 65%, 70%, 75%, 80%, 85%, 90%, 95%, 및 100%를 포함한, 단지 예로서 10% 내지 100%이다. 적합한 길이의 시간 후, 정상 투여 스케줄은 임의로 복귀된다.

[0194] 일부 실시양태에서, 환자의 병태의 개선이 일어났으면, 유지 용량이 필요에 따라 투여된다. 이어서, 구체적인 실시양태에서, 투여량 또는 투여의 빈도, 또는 둘 다는 증상의 함수로서 개선된 질환, 장애, 또는 병태가 보유되는 수준으로 감소된다. 그러나, 특정 실시양태에서, 환자는 증상의 임의의 재발 시 장기 기초로 간헐적 치료를 필요로 한다.

[0195] 이러한 치료 레지멘의 독성 및 치료 효능은 LD50 및 ED50의 결정을 포함하나 이에 제한되지는 않는 세포 배양 또는 실험 동물에서의 표준 제약 절차에 의해 결정된다. 독성 및 치료 효과 사이의 용량 비는 치료 지수이며, LD50 및 ED50 사이의 비로서 표현된다. 특정 실시양태에서, 세포 배양 검정 및 동물 연구로부터 얻어진 데이터는 인간을 포함한 포유동물에서 사용하기 위한 치료 유효 일일 투여량 범위 및/또는 치료 유효 단위 투여량을 수립하는데 사용된다. 일부 실시양태에서, 본원에 기재된 치료 rAAV 조성물의 투여량은 최소 독성을 갖는 ED50을 포함하는 순환 농도의 범위 내에 있다. 특정 실시양태에서, 일일 투여량 범위 및/또는 단위 투여량은 채용되는 투여 형태 및 이용되는 투여의 경로에 따라 이 범위 내에서 다양하다.

[0196] ***추가의 치료제***

[0197] 치료 핵산은 단독으로 또는 추가의 치료제 (함께, "치료제들")와 조합으로 사용될 수 있다. 일부 경우에, 본원에 사용된 "추가의 치료제"는 단독으로 투여된다. 치료제는 조합 요법에서 함께 또는 순차적으로 투여될 수 있다. 조합 요법은 동일한 날 내에 투여될 수 있거나, 1일, 1주, 1개월, 또는 1년 이상 떨어져 투여될 수 있다. 일부 경우에, 본원에 제공된 치료 핵산은 대상체가 요법의 제1 라인에 비-반응성인 것으로 결정되는 경우 투여된다.

[0198] 추가의 치료제는 소분자를 포함할 수 있다. 추가의 치료제는 항체, 또는 항원-결합 단편을 포함할 수 있다. 추가의 치료제는 세포-기반 요법을 포함할 수 있다. 예시적인 세포-기반 요법은 제한 없이 면역 이펙터 세포 요법, 키메라 항원 수용체 T-세포 (CAR-T) 요법, 자연 킬러 세포 요법 및 키메라 항원 수용체 자연 킬러 (NK) 세포 요법을 포함한다. NK 세포, 또는 CAR-NK 세포 중 어느 하나, 또는 NK 세포 및 CAR-NK 세포 둘 다의 조합은 본원에 개시된 방법과 조합으로 사용될 수 있다. 일부 실시양태에서, NK 세포 및 CAR-NK 세포는 인간 유도 다능성 줄기 세포 (iPSC), 제대혈, 또는 세포주로부터 유래된다. NK 세포 및 CAR-NK 세포는 시토카인 수용체 및 자살 유전자를 포함할 수 있다. 세포-기반 요법은 줄기 세포 요법을 포함할 수 있다. 줄기 세포 요법은 배아 또는 체세포 줄기 세포일 수 있다. 줄기 세포는 공여자로부터 단리될 수 있거나 (동종이형), 대상체로부터 단리될 수 있다 (자가). 줄기 세포는 확장된 지방-유래 줄기 세포 (eASC), 조혈 줄기 세포 (HSC), 중간엽 줄기 (기질) 세포 (MSC), 또는 대상체의 세포로부터 유래된 유도 다능성 줄기 세포 (iPSC)일 수 있다.

[0199] **III. 키트**

[0200] 본원에 개시된 조성물을 포함하는 키트가 본원에 개시된다. 또한, 중추 신경계 (CNS), 또는 표적 기관 또는 환경 (예를 들어, 간)의 질환 또는 병태의 치료 또는 예방을 위한 키트가 본원에 개시된다. 일부 경우에, 질환 또는 병태는 암, 병원체 감염, 폐 질환 또는 병태, 신경 질환, 근육 질환, 또는 면역 장애, 예컨대 본원에 기재된 것들이다. 한 실시양태에서, 키트는 본 개시내용의 치료 핵산 (예를 들어, 치료 핵산) 및 재조합 AAV (rAAV) 캡시드 단백질을 코딩하는 재조합 AAV 벡터를 캡시드화하는 rAAV 입자의 조성물의 유효량을 함유하는 치료 또는 예방 조성물을 포함할 수 있다. 또 다른 실시양태에서, 키트는 치료 핵산을 발현하는 단위 투여 형태에 본원에 기재된 rAAV에 의해 변형된 세포 ("변형된 세포")의 유효량을 함유하는 치료 또는 예방 조성물을 포함할 수 있다. 일부 실시양태에서, 키트는 치료 조성물을 함유할 수 있는 멸균 용기를 포함하며; 이러한 용기는 박스, 앰풀, 보틀, 바이알, 튜브, 백, 파우치, 블리스터-팩, 또는 관련 기술분야에 공지된 다른 적합한 용기 형태일 수 있다. 이러한 용기는 플라스틱, 유리, 적층 종이, 금속 호일, 또는 의약을 보유하기에 적합한 다른 물질로 제조될 수 있다.

[0201] 일부 경우에, rAAV는 질환 또는 병태 (예를 들어, CNS, PNS, 간 등의 질환)를 갖거나 이를 발달시킬 위험이 있는 대상체에게 rAAV를 투여하기 위한 지시서와 함께 제공된다. 지시서는 일반적으로 질환 또는 병태의 치료 또

는 예방을 위한 조성물의 사용에 관한 정보를 포함할 수 있다.

[0202] 일부 경우에, 키트는 동종이형 세포를 포함할 수 있다. 일부 경우에, 키트는 게놈 변형을 포함할 수 있는 세포를 포함할 수 있다. 일부 경우에, 키트는 "기성품" 세포를 포함할 수 있다. 일부 경우에, 키트는 임상적 사용을 위해 확장될 수 있는 세포를 포함할 수 있다. 일부 경우에, 키트는 연구 목적을 위한 내용물을 함유할 수 있다.

[0203] 일부 경우에, 지시서는 하기 중 적어도 하나를 포함한다: 치료 rAAV 조성물의 설명; 본원에 개시된 질환 또는 병태의 치료 또는 예방을 위한 투여량 스케줄 및 투여; 예방책; 경고; 적응증; 금기증; 과다투여량 정보; 유해 반응; 동물 약리학; 임상 시험; 및/또는 참고문헌. 지시서는 용기 상에 직접적으로 인쇄될 수 있거나 (존재하는 경우), 용기에 적용된 표지로서, 또는 별개의 쉬트, 팸플릿, 카드, 또는 용기에 또는 그와 함께 공급된 홀더로서일 수 있다. 일부 경우에, 지시서는 대상체 단독에게 rAAV를 투여하기 위한 절차를 제공한다. 일부 경우에, 지시서는 본원에 개시된 추가의 치료제를 투여하기 전후 적어도 약 1시간 (hr), 2 hr, 3 hr, 4 hr, 5 hr, 6 hr, 7 hr, 8 hr, 9 hr,10 hr, 11 hr, 12 hr, 13 hr, 14 hr, 15 hr, 16 hr, 17 hr, 18 hr, 19 hr, 20 hr, 21 hr, 22 hr, 23 hr, 24 hr, 25 hr, 26 hr, 27 hr, 28 hr, 29 hr, 30 hr, 또는 최대 2일, 3일, 4일, 5일, 6일, 또는 7일에 대상체에게 rAAV를 투여하기 위한 절차를 제공한다. 일부 경우에, 지시서는 rAAV가 정맥내 주사를 위해 제제화됨을 제공한다.

[0204] **IV. 정의**

[0205] 본원에 사용된 용어는 단지 특정 사례를 기재하는 목적을 위한 것이며, 제한적인 것으로 의도되지 않는다. 본원에 사용된 단수 형태는 맥락이 명백하게 달리 지시하지 않는 한, 복수 형태를 또한 포함하는 것으로 의도된다. 더욱이, 용어 "포함한", "포함한다", "갖는", "갖는다", "보유하는" 또는 그의 파생어가 상세한 설명 및/또는 청구범위에 사용되는 한, 이러한 용어는 용어 "포함하는"과 유사한 방식으로 포함적인 것으로 의도된다.

[0206] 용어 "약" 또는 "대략"은 부분적으로 값이 측정되거나 결정되는 방법, 예를 들어, 측정 시스템의 한계에 의존할 관련 기술분야의 통상의 기술자에 의해 결정되는 바와 같은 특정 값에 대한 허용되는 오차 범위 내를 의미한다. 예를 들어, "약"은 주어진 값에서의 관행에 따라, 1 또는 1 초과의 표준 편차 내를 의미할 수 있다. 특정 값이 본 출원 및 청구범위에 기재되는 경우, 달리 언급되지 않는 한, 용어 "약"은 특정 값에 대한 허용되는 오차 범위를 의미하는 것으로 가정되어야 한다.

[0207] 조성물 및 방법을 정의하는데 사용되는 경우 본원에 사용된 "본질적으로 이루어진"은 언급된 목적을 위한 조합에 대한 임의의 본질적인 유의성의 다른 요소를 배제하는 것을 의미할 것이다. 따라서, 본원에 정의된 바와 같은 요소로 본질적으로 이루어진 조성물은 청구된 개시내용의 기본적이고 신규한 특징(들)에 실질적으로 영향을 미치지 않는 다른 물질 또는 단계, 예컨대 여드름, 습진, 건선, 및 장미증과 같은 피부 장애를 치료하기 위한 조성물을 배제하지 않을 것이다.

[0208] 용어 "상동적", "상동성", 또는 "퍼센트 상동성"은 일반적으로 참조 서열과 동일하거나 유사한 서열을 갖는 아미노산 서열 또는 핵산 서열을 의미하기 위해 본원에 사용된다. 서열의 퍼센트 상동성은 본 출원의 출원일 현재, BLAST의 가장 최신 버전을 사용하여 결정될 수 있다.

[0209] 용어 "증가된", 또는 "증가"는 일반적으로 통계적으로 유의한 양만큼의 증가를 의미하기 위해 본원에 사용된다. 일부 실시양태에서, 용어 "증가된", 또는 "증가"는 참조 수준과 비교하여 적어도 10%의 증가, 예를 들어 참조 수준, 표준물, 또는 대조군과 비교하여 적어도 약 10%, 적어도 약 20%, 또는 적어도 약 30%, 또는 적어도 약 40%, 또는 적어도 약 50%, 또는 적어도 약 60%, 또는 적어도 약 70%, 또는 적어도 약 80%, 또는 적어도 약 90% 또는 최대 100% (및 이를 포함함) 증가 또는 10 내지 100%의 임의의 증가를 의미한다. "증가"의 다른 예는 참조 수준과 비교하여 적어도 2배, 적어도 5배, 적어도 10배, 적어도 20배, 적어도 50배, 적어도 100배, 적어도 1000배 또는 그 초과의 증가를 포함한다.

[0210] 용어 "감소된" 또는 "감소"는 일반적으로 통계적으로 유의한 양만큼의 감소를 의미하기 위해 본원에 사용된다. 일부 실시양태에서, "감소된" 또는 "감소"는 참조 수준과 비교하여 적어도 10% 감소, 예를 들어 참조 수준과 비교하여 적어도 약 20%, 또는 적어도 약 30%, 또는 적어도 약 40%, 또는 적어도 약 50%, 또는 적어도 약 60%, 또는 적어도 약 70%, 또는 적어도 약 80%, 또는 적어도 약 90% 또는 최대 100% (및 이를 포함함) 감소 (예를 들어, 참조 수준과 비교하여 부재한 수준 또는 비-검출가능한 수준), 또는 10 내지 100%의 임의의 감소를 의미한다. 마커 또는 증상의 맥락에서, 이들 용어는 이러한 수준의 통계적으로 유의한 감소를 의미한다. 감소는

예를 들어, 적어도 10%, 적어도 20%, 적어도 30%, 적어도 40% 또는 그 초과일 수 있으며, 바람직하게는 주어진 질환을 갖지 않는 개체에 대한 정상의 범위 내로서 허용되는 수준까지 하향된다.

[0211] 용어 "대상체"는 임의의 유기체이다. 일부 경우에, 유기체는 포유동물이다. 포유동물의 비-제한적 예는 포유동물 강의 임의의 구성원: 인간, 비-인간 영장류, 예컨대 침팬지,및 다른 유인원 및 원숭이 종; 농장 동물, 예컨대 소, 말, 양, 염소, 돼지; 가축 동물, 예컨대 토끼, 개, 및 고양이; 설치류를 포함한 실험실 동물, 예컨대 래트, 마우스 및 기니아 피그 등을 포함한다. 한 측면에서, 포유동물은 인간이다. 본원에 사용된 용어 "동물"은 인간 및 비-인간 동물을 포함한다. 한 실시양태에서, "비-인간 동물"은 포유동물, 예를 들어 설치류, 예컨대 래트 또는 마우스이다. 일부 경우에, 대상체는 환자이며, 이는 본원에 사용된 바와 같이, 특정 질환 또는 장애로 진단된 대상체를 지칭할 수 있다.

[0212] 본원에 사용된 용어 "유전자"는 임의로 코딩 서열의 상류 또는 하류에 위치할 수 있는 연관된 조절 영역, 예컨대 프로모터, 오퍼레이터, 종결자 등과 함께, 개별적 단백질 또는 RNA를 코딩하는 핵산의 절편 (또한 "코딩 서열" 또는 "코딩 영역"으로 지칭됨)을 지칭한다.

[0213] 본원에 사용된 용어 "아데노-연관 바이러스", 또는 "AAV"는 아데노-연관 바이러스 또는 그의 유도체를 지칭한다. AAV의 비-제한된 예는 AAV 유형 1 (AAV1), AAV 유형 2 (AAV2), AAV 유형 3 (AAV3), AAV 유형 4 (AAV4), AAV 유형 5 (AAV5), AAV 유형 6 (AAV6), AAV 유형 7 (AAV7), AAV 유형 8 (AAV8), AAV 유형 9 (AAV9), AAV 유형 10 (AAV10), AAV 유형 11 (AAV11), AAV 유형 12 (AAV12), 조류 AAV, 소 AAV, 개 AAV, 말 AAV, 영장류 AAV, 비-영장류 AAV, 및 양 AAV를 포함한다. 일부 경우에, AAV는 "영장류 AAV"로서 기재되며, 이는 영장류를 감염시키는 AAV를 지칭한다. 마찬가지로 AAV는 소 동물을 감염시킬 수 있다 (예를 들어, "소 AAV" 등). 일부 경우에, AAV는 야생형, 또는 천연 발생이다. 일부 경우에, AAV는 재조합이다.

[0214] 본원에 사용된 용어 "AAV 캡시드"는 아데노-연관 바이러스의 캡시드 단백질 또는 펩티드를 지칭한다. 일부 경우에, AAV 캡시드 단백질은 유전 정보 (예를 들어, 트랜스진, 치료 핵산, 바이러스 게놈)를 캡시드화하도록 구성된다. 일부 경우에, 본 개시내용의 AAV 캡시드는, 상응하는 모체 AAV 캡시드 단백질에 비해, 변형된 AAV 캡시드이다.

[0215] 본원에 사용된 용어 "향성"은, 제2 생체내 환경에 비해, 생체내 환경에서의 것 내로 캡시드화된 유전 정보를 발현하는 것에 대한 특이성, 및/또는 그의 효율의 증가 또는 감소를 포함할 수 있는 AAV 캡시드의 품질 또는 특징을 지칭한다. 생체내 환경은 일부 경우에 세포-유형이다. 생체내 환경은 일부 경우에 기관 또는 기관계이다.

[0216] 본원에 사용된 용어 "AAV 벡터"는 바이러스와 관련된 유전 정보를 코딩하는 핵산 중합체를 지칭한다. AAV 벡터는 재조합 AAV 벡터 (rAAV)일 수 있으며, 이는 재조합 유전학 방법을 사용하여 생성된 AAV 벡터를 지칭한다. 일부 경우에, rAAV 벡터는 적어도 하나의 이종 폴리뉴클레오티드 (예를 들어 야생형 또는 천연 발생 AAV 게놈, 예컨대 트랜스진 이외의 폴리뉴클레오티드)를 포함한다.

[0217] 본원에 사용된 용어 "AAV 입자"는 AAV 바이러스, 비리온, AAV 캡시드 단백질 또는 그의 성분을 지칭한다. 일부 경우에, AAV 입자는 모체 AAV 입자에 비해 변형된다.

[0218] 용어 "유전자 산물" 또는 "유전자 발현 산물"은 폴리뉴클레오티드 서열의 발현 산물, 예컨대, 예를 들어, 폴리펩티드, 펩티드, 단백질 또는 간섭 RNA (예를 들어, siRNA, miRNA, shRNA) 및 메신저 RNA (mRNA)를 포함한 RNA를 지칭한다.

[0219] 용어 "작동적으로 연결된" 또는 "작동가능하게 연결된"은 2개 이상의 요소 사이의 기능적 관계를 가능하게 하는, 2개 이상의 요소의 위치가 함께 가까운 것, 및 일부 경우에, 서로에 대해 다음인 것 (예를 들어, 유전 요소, 예컨대 프로모터, 인핸서, 종결 신호 서열, 폴리아데닐화 서열 등)을 지칭한다. 한 비-제한적 예에서, 코딩 영역에 작동적으로 연결된 프로모터는 코딩 서열의 전사의 개시를 가능하게 한다.

[0220] 본원에 사용된 용어 "이종"은 그것이 비교되는 실체의 나머지의 그것으로부터 유전자형적으로 별개의 실체로부터 유래된 유전 요소 (예를 들어, 코딩 영역) 또는 유전자 발현 산물 (예를 들어, RNA, 단백질)을 지칭한다.

[0221] 본원에 사용된 용어 "내인성"은 유기체 또는 유기체 내의 특정 세포에서 천연 발생이거나 그와 연관된 유전 요소 (예를 들어, 코딩 영역) 또는 유전자 발현 산물 (예를 들어, RNA, 단백질)을 지칭한다.

[0222] 본원에 사용된 "검출가능한 모이어티"는 예를 들어, 관련 기술분야에 공지된 기술을 사용하여 검출될 수 있는 화합물 또는 생체분자에 공유적으로 또는 비공유적으로 부착될 수 있는 모이어티를 지칭한다. 실시양태에서, 검출가능한 모이어티는 공유적으로 부착된다. 검출가능한 모이어티는 부착된 화합물 또는 생체분자의 화상화를

제공할 수 있다. 검출가능한 모이어티는 2개의 화합물 사이의 접촉을 지시할 수 있다. 예시적인 검출가능한 모이어티는 형광단, 항체, 반응성 염료, 방사성-표지된 모이어티, 자기 조영제, 및 양자 점이다. 예시적인 형광단은 플루오레세인, 로다민, GFP, 쿠마린, FITC, 알렉사 플루오르(Alexa fluor), Cy3, Cy5, 보디피(BODIPY), 및 시아닌 염료를 포함한다. 예시적인 방사성핵종은 플루오린-18, 갈륨-68, 및 구리-64를 포함한다. 예시적인 자기 조영제는 가돌리늄, 산화철 및 철 백금, 및 망간을 포함한다.

[0223] 본원에 사용된 용어 "치료하다", "치료하는", 및 "치료"는 장애, 질환, 또는 병태; 또는 장애, 질환, 또는 병연관된 증상 중 1종 이상을 경감시키거나 제거하는 것; 또는 장애, 질환, 또는 병태의 원인 자체를 경감시키거나 근절시키는 것을 지칭한다. 치료의 바람직한 효과는 질환의 발생 또는 재발을 방지하는 것, 증상의 경감, 질환의 임의의 직접적 또는 간접적 병리학적 결과를 감소시키는 것, 전이를 방지하는 것, 질환 진행의 속도를 감소시키는 것, 질환 상태의 개선 또는 경감 및 완화 또는 개선된 예후를 포함할 수 있으나 이에 제한되지는 않는다.

[0224] 용어 "치료 유효량"은 투여되는 경우 장애, 질환, 또는 질환의 병태의 증상 중 1종 이상의 발달을 예방하거나, 어느 정도로 경감시키는데 충분한 화합물 또는 요법의 양; 또는 연구자, 수의사, 의사, 또는 임상의에 의해 추구되고 있는 세포, 조직, 계, 동물, 또는 인간의 생물학적 또는 의학적 반응을 유발하는데 충분한 화합물의 양을 지칭한다.

[0225] 용어 "제약상 허용되는 담체", "제약상 허용되는 부형제", "생리학상 허용되는 담체", 또는 "생리학상 허용되는 부형제"는 제약상 허용되는 물질, 조성물, 또는 비히클, 예컨대 액체 또는 고체 충전제, 희석제, 부형제, 용매, 또는 캡슐화 물질을 지칭한다. 성분은 제약 제제의 다른 성분과 혼화성이라는 의미에서 "제약상 허용될" 수 있다. 이는 또한 합리적인 이익/위험 비와 어울리는, 과도한 독성, 자극, 알레르기 반응, 면역원성, 또는 다른 문제 또는 합병증 없이 인간 및 동물의 조직 또는 기관과 접촉하여 사용하기에 적합할 수 있다. 문헌 [Remington: The Science and Practice of Pharmacy, 21st Edition; Lippincott Williams & Wilkins: Philadelphia, PA, 2005]; [Handbook of Pharmaceutical Excipients, 5th Edition; Rowe et al., Eds., The Pharmaceutical Press and the American Pharmaceutical Association: 2005]; 및 [Handbook of Pharmaceutical Additives, 3rd Edition; Ash and Ash Eds., Gower Publishing Company: 2007]; [Pharmaceutical Preformulation and Formulation, Gibson Ed., CRC Press LLC: Boca Raton, FL, 2004]을 참조한다.

[0226] 용어 "제약 조성물"은 본원에 개시된 화합물과 다른 화학적 성분, 예컨대 희석제 또는 담체의 혼합물을 지칭한다. 제약 조성물은 유기체에의 화합물의 투여를 용이하게 할 수 있다. 경구, 주사, 에어로졸, 비경구, 및 국소 투여를 포함하나 이에 제한되지는 않는 화합물을 투여하는 다수의 기술이 관련 기술분야에 존재한다.

[0227] "샘플"의 비-제한적 예는 핵산 및/또는 단백질이 얻어질 수 있는 임의의 물질을 포함한다. 비-제한적 예로서, 이는 전혈, 말초 혈액, 혈장, 혈청, 타액, 점액, 소변, 정액, 림프, 분변 추출물, 볼 스왑, 외과적 생검 또는 외과적 절제를 통해 얻어진 조직을 포함하나 이에 제한되지는 않는 세포 또는 다른 체액 또는 조직을 포함한다. 다양한 실시양태에서, 샘플은 대장 및/또는 소장으로부터의 조직을 포함한다. 다양한 실시양태에서, 대상 샘플은 맹장, 결장 (상행 결장, 횡행 결장, 하행 결장, 및 구불 결장), 직장 및/또는 항문관을 포함한다. 일부 실시양태에서, 소장 샘플은 십이지장, 공장, 및/또는 회장을 포함한다. 대안적으로, 샘플은 1차 환자 유래 세포주, 또는 보존된 샘플, 또는 신선한 동결된 샘플의 형태의 보관된 환자 샘플을 통해 얻어질 수 있다.

[0228] 용어 "생체내"는 대상체의 신체에서 일어나는 이벤트를 기재하는데 사용된다.

[0229] 용어 "생체외"는 대상체의 신체의 외부에서 일어나는 이벤트를 기재하는데 사용된다. 생체외 검정은 대상체에 대해 수행되지 않는다. 오히려, 이는 대상체로부터 별개의 샘플에 대해 수행된다. 샘플에 대해 수행된 생체외 검정의 예는 "시험관내" 검정이다.

[0230] 용어 "시험관내"는 그것이 물질이 얻어진 생물학적 공급원으로부터 분리되도록 실험실 시약을 보유하기 위한 용기에 함유되어 일어나는 이벤트를 기재하는데 사용된다. 시험관내 검정은 살아있는 또는 죽은 세포가 채용되는 세포-기반 검정을 포괄할 수 있다. 시험관내 검정은 또한 무손상 세포가 채용되지 않는 무세포 검정을 포괄할 수 있다.

[0231] 본원에 사용된 섹션 표제는 단지 조직적 목적을 위한 것이며, 기재된 요지를 제한하는 것으로 해석되지 않아야 한다.

[0232] **V. 실시예**

[0233] **실시예 1. rAAV를 생산하는 방법**

[0234] 재조합 AAV (rAAV)가 생산된다. 3가지 플라스미드 벡터를 표준 형질감염 프로토콜을 사용하여 (예를 들어, PEI로) 불멸화된 HEK293 내로 삼중-형질감염시킨다. 제1 벡터는 모체 AAV 바이러스로부터의 역위 말단 반복부 (ITR) 서열에 의해 플랭킹된 트랜스진 카세트를 함유한다. 트랜스진 카세트는 프로모터 서열을 가지며, 표적 세포의 핵에서 이종 핵산의 전사를 유도한다. 제2 벡터는 AAV *Rep* 유전자, 뿐만 아니라 변형된 *Cap* 유전자를 코딩하는 핵산, 예를 들어, AAV2/9 REP-AAP-ΔCap를 함유한다. 변형된 *Cap* 유전자는 본 개시내용의 변형된 AAV 캡시드 단백질을 코딩하는 DNA 서열인 **도 33 내지 35**에 제공된 DNA 서열 중 어느 하나를 포함한다. 제3 벡터는 바이러스 어셈블리, 및 변형된 캡시드 구조 내로의 이종 핵산의 패키징에 필요한 헬퍼 바이러스 단백질을 코딩하는 핵산을 함유한다.

[0235] 바이러스 입자를 형질감염 후 72시간에 배지로부터 및 형질감염 후 120시간에 세포 및 배지로부터 수거한다. 배지에 존재하는 바이러스를 8% 폴리(에틸렌 글리콜) 및 500 mM 염화나트륨으로의 침전에 의해 농축시키고, 침전된 바이러스를 수집된 세포로부터 제조된 용해물에 첨가한다. 바이러스를 아이오딕산올 (옵티프렙, 시그마) 단계 구배 (15%, 25%, 40% 및 60%) 상에서 정제한다. 바이러스를 농축시키고, PBS에서 제제화한다. 바이러스 역가를 qPCR 및 대조군으로서 선형화된 게놈 플라스미드를 사용하여 DNaseI-저항성 벡터 게놈 카피 (VG)의 수를 측정함으로써 결정한다.

[0236] **실시예 2. 변이체 AAV 캡시드 단백질을 확인하는 방법**

[0237] ***플라스미드***

[0238] 라이브러리 생성. rAAV-ΔCap-인-시스-Lox2 플라스미드 (도 36)는 rAAV-ΔCap-인-시스-Lox 플라스미드의 변형이다. *7-mer-i* 라이브러리 단편 생성을 위해, pCRII-9Cap-XE 플라스미드를 주형으로서 사용하였다. AAV2/9 REP-AAP-ΔCap 플라스미드 (도 36)는 AAV2/9 REP-AAP 플라스미드로부터 변형되었다.

[0239] rAAV-ΔCap-인-시스-Lox2 플라스미드는 AAV2 ITR에 의해 플랭킹된 3가지 주요 요소로 이루어진다. (i) 형광 단백질, mNeongreen의 발현을 유도하는 UBC 편재적 프로모터, 이어서 합성 폴리아데닐화 서열. 플라스미드의 이전의 버전의 mCherry 발현 카세트는 mNeonGreen 카세트에 의해 대체되었다. (ii) 스플라이싱 서열 및 AAV5 p41 프로모터 (진뱅크 AF085716.1의 1680-1974 잔기)를 갖는 AAV2 rep 유전자의 부분, 이어서 AAV9 cap 유전자. 이 플라스미드의 이전의 버전, rAAV-ΔCap-인-시스-Lox는 AAV9 Cap 유전자의 AA 450 및 592에 제한 부위 XbaI 및 AgeI 사이에 짧은 12 bp 서열을 갖는다. 이는 플라스미드의 보다 새로운 버전에서 mRuby2 유전자의 723 bp 서열에 의해 프레임 내에서 대체되었다 (충전제 DNA로서 작용함). (iii) lox71 및 lox66 부위에 의해 플랭킹된 SV40 폴리아데닐화 서열. 사소한 변화는 클로닝의 용이성을 용이하게 하고 포유동물 세포 형질감염을 가시화하기 위해 플라스미드의 이전의 버전에 도입되었다. 이들 rAAV 플라스미드에서의 Lox 부위는 보통의 수준의 Cre-비의존성 플립핑을 나타낸다. 이는 본 발명자들이 라이브러리로 주사된 야생형 마우스 (즉, Cre 발현을 결여함)로부터 추출된 대조군 DNA로부터 임의의 rAAV 캡시드를 회수할 수 없는 지점까지 증폭 사이클의 수를 저하시킴으로써 PCR-기반 캡시드 회수 동안 최소화되었다. pCRII-9Cap-XE 플라스미드는 AA 450-592로부터의 AAV9 캡시드 유전자 서열을 함유하며, XbaI 및 AgeI 제한 부위에 의해 플랭킹된다.

[0240] AAV2/9 REP-AAP-ΔCap 플라스미드는 AAV9 캡시드 서열의 AA 450-592의 결실에 추가로 AAV2/9 REP-AAP의 5개의 기존의 정지 코돈을 갖는다. 이들 변형은 벡터 생산에 영향을 미치지 않았다. REP-AAP 및 rAAV-ΔCap-인-시스-Lox2 플라스미드 사이의 중첩하는 단편의 결실은 벡터 생산에서 공동-형질감염 동안 AAV9 야생형 캡시드를 잠재적으로 생성할 수 있는 플라스미드 사이의 재조합을 최소화한다.

[0241] ***캡시드 특징규명***

[0242] AAV 캡시드. 7-mer 삽입 또는 11-mer 치환을 갖는 AAV 캡시드 변이체를 pUCmini-iCAP-PHP.B 백본 (애드진 (Addgene) ID: 103002)을 사용하여 AAV-PHP.B 캡시드의 위치 587-597 사이에서 제조하였다.

[0243] ssAAV 게놈. AAV 캡시드 변이체를 특징규명하기 위해, 단일 가닥 (ss) rAAV 게놈을 사용하였다. 게놈, 예컨대 pAAV:CAG-mNeonGreen27 (등가의 플라스미드, pAAV: CAG-eYFP35; 애드진 ID: 104055), pAAV:CAG-NLS-EGFP26 (하나의 NLS를 갖는 등가의 버전은 애드진 ID 104061 상에 있음), pAAV:CAG-DIO-EYFP35 (애드진 ID: 104052), pAAV: GfABC1D-2xNLS-mTurquoise235 (애드진 ID: 104053), 및 pAAV-P1e261-iCre30 (애드진 ID 49113)을 사용하였다.

[0244] pAAV:CAG-mNeonGreen2 게놈은 형광 단백질, mNeonGreen의 발현을 유도하는 편재적 CMV-β-액틴-인트론-β-글로빈 (CAG) 하이브리드 프로모터 (등가의 플라스미드, pAAV: CAG-eYFP3; 애드진 ID: 104055)로 이루어진다. pAAV:CAG-NLS-EGFP1은 EGFP의 N- 및 C-말단에서의 NLS 서열로 이루어지고, CAG 프로모터에 의해 유도된다. 하나의 NLS를 갖는 등가의 버전은 애드진 (ID 104061) 상에 있다. pAAV:CAG-DIO-EYFP3 (애드진 ID: 104052)은 CAG 프로모터의 역방향에서 수립된 EYFP 유전자로 이루어지고, 이는 양 말단 상에 한 쌍의 Cre-Lox 부위 (Lox P 및 Lox 2272)에 의해 플랭킹된다.

[0245] Cre를 발현하는 세포에서, Cre-lox 쌍은 EYFP를 반전시켜 전사 및 번역, 이어서 재-역전을 방지하는 lox 부위에서의 절제를 가능하게 한다. 다른 곳에서 pAAV:GFAP-2xNLS-mTurquoise2 (애드진 ID: 104053)로 지칭되는 pAAV: GfABC1D-2xNLS-mTurquoise23은 mTurquoise2의 N- 및 C-말단에서의 NLS 서열로 이루어지고, 성상세포-특이적 프로모터 GfABC1D4에 의해 유도된다. pAAV:Ple261-iCre5 (애드진 ID 49113)는 iCre의 발현을 유도하는 내피-세포-특이적 프로모터를 함유한다.

[0246] pAAV:CAG-XFP (mNeongreen)를 AAV 변이체를 특징규명하기 위해 패키징하였다. 그러나, 세포-유형: 뉴런, 성상세포 및 핍지교세포의 정량화를 수행하는 경우, CAG-NLS-EGFP를 사용하여 현미경 화상을 사용한 보다 용이한 정량화를 위해 발현을 핵에 제한하였다. GFAP-NLS-mTurq2는 성상세포를 정량화하는데 사용된다. CAG-DIO-EYFP는 이 플라스미드에서의 lox 부위의 존재로 인해, Cre 유도자 라인에 사용된다.

[0247] 구앙핑 가오 박사(Dr. Guangping Gao)로부터의 자기-상보적 게놈, scAAV:CB6-EGFP 게놈은 EGFP의 발현을 유도하는 CMV 인핸서 (시토메갈로바이러스 극초기 인핸서), 닭-β-액틴 프로모터 및 하이브리드 인트론을 포함하는 하이브리드 편재적 CB6 프로모터 (975 bp)를 갖는다. 게놈은 EGFP 유전자 뒤에 토끼 글로빈 폴리 A (127 bp)를 갖는다. scAAV:CAG-EGFP (애드진 ID:83279) 벡터는 EGFP의 발현을 유도하기 위해 편재적 CMV-β-액틴-인트론-β-글로빈 (CAG) 하이브리드 프로모터를 사용한다.

[0248] ***라운드-1 AAV 캡시드 라이브러리 생성***

[0249] 돌연변이유발 전략. 7-mer 무작위화된 삽입을 혼합된 염기를 함유하는 축퇴성 프라이머 (인테그레이티드 디엔에이 테크놀로지스, 인크.(Integrated DNA Technologies, Inc.)로부터)를 수반하는 NNK 포화 돌연변이유발 전략을 사용하여 디자인하였다. N은 A, C, G, 또는 T 염기일 수 있고, K는 G, 또는 T일 수 있다. 이 전략을 사용하여, 33개의 코돈을 사용한 7-mer 펩티드의 각각의 위치에서의 모든 20개의 AA의 조합을 얻어, AA 조합의 수준에서 12억8천만개의 라이브러리 크기를 발생시켰다. *3-mer-s* PHP.B 라이브러리에 대한 돌연변이유발 전략은 문헌 [Chan, K. Y. *et al.* Engineered AAVs for efficient noninvasive gene delivery to the central and peripheral nervous systems. *Nat. Neurosci.* 20, 1172-1179 (2017)]에 기재되어 있다.

[0250] 라이브러리 클로닝. AA 588 및 589 사이에 7-mer 무작위 삽입을 갖는 480 bp AAV 캡시드 단편 (450-592 AA)을 혼합된 염기 축퇴성 프라이머로의 통상적인 PCR 방법에 의해 생성하였다. 라이브러리 단편을 정방향 프라이머, XF: 5'-ACTCATCGACCAATACTTGTACTATCTCTCTAGAAC-3' 및 역방향 프라이머, 7xMNN-588i: 5'-GTATTCCTTGGTTTTGAACCCAACCGGTCTGCGCCTGTGCMNNMNNMNNMNNMNNMNNMNNTTGGGCACTCTGGTGGTTTGTG-3'로의 Q5 핫 스타트 고-충실도 2X 마스터 믹스 (NEB; M0494S)에 의해 pCRII-9Cap-XE 주형으로부터 증폭시켰다. 점 돌연변이, 재조합, 및 주형 스위칭으로부터 초래되는 PCR-유도된 편향을 회피하기 위해, PCR 증폭을 15 내지 20 사이클로 제한하고, 반응을 규모 확대하여 필요한 수율을 얻었다. 생성된 PCR 산물을 1% 아가로스 겔 상에서 구동하고, 자이모클린 겔(Zymoclean Gel) DNA 회수 키트 (자이모 리서치(Zymo Research); D4007)로 추출하였다. 깨끗한 겔-구동 박스 및 신선하게 제조된 1x TAE 완충제를 사용하는 것과 같은 예방적 조치를 취함으로써 이 단계 동안 AAV 오염을 회피하는 것이 중요하다.

[0251] rAAV-ΔCap-인-시스-Lox2 플라스미드 (6960 bp)를 이중 소화를 위한 NEB 권고된 프로토콜을 따름으로써 제한 효소 AgeI 및 XbaI로 선형화하였다. 소화된 플라스미드를 0.8% 내지 1% 아가로스 겔 상에서 구동하여 자이모클린 겔 DNA 회수 키트로 선형화된 백본 (6237 bp)을 추출하였다.

[0252] 증폭된 라이브러리 단편을 NE빌더 하이파이(NEBuilder HiFi) DNA 어셈블리 마스터 믹스 (NEB; E2621S) 및 벡터 대 삽입물의 1:2 몰 비로 선형화된 벡터 내로 어셈블리하여, 50℃에서 60분 동안 어셈블리하였다.

[0253] 라이브러리 정제. 이어서 어셈블리된 라이브러리를 플라스미드 세이프 (PS) DNase (에피센터(Epicentre); E3105K) 처리로 처리하여, 혼합물로부터 비-어셈블리된 DNA 단편을 분해시킴으로써 어셈블리된 산물을 정제하였다. R1 라이브러리에 대해, 1 μg의 입력 DNA당 대략 3U의 PS DNase를 37℃에서의 30분 반응에 사용하였다. 대안적으로, 엑소뉴클레아제 V (RecBCD)를 NEB 권고된 프로토콜 (NEB; M0345S)에 따라 사용하였다. 둘 다의 절

차는 필적하는 결과를 산출하였다. 생성된 혼합물을 DNA 클린 앤 컨센트레이터(Clean and Concentrator) 키트(자이모 리서치; D4013)로 추가로 정제하였다.

[0254] 라이브러리 수율. PS 처리 후 15% 내지 20%의 어셈블리 효율로, 20 μL 반응물당 100 ng의 입력 DNA당 약 15 내지 20 ng의 수율이 얻어졌다. *7-mer-i* DNA 라이브러리를 수립하기 위해, 대략 5 내지 6 μg의 입력 DNA를 사용하여 대략 800 ng의 어셈블리된 라이브러리를 얻었다.

[0255] 품질 제어. 라이브러리의 성공적인 어셈블리를 확인하기 위해, 1 ng의 최종 어셈블리된 라이브러리를 이. 콜라이(*E. coli*) SURE 2 슈퍼컴피턴트 세포(Supercompetent Cell) (인테그레이티드 사이언시스(Integrated Sciences); 200152) 내로 형질전환시켰다. 37℃에서 밤샘 인큐베이션 후 카르베니실린 항생제를 함유하는 LB/한천 플레이트 상의 콜로니를 확인하였다. DNA 라이브러리를 삽입 부위 주위에서 시퀀싱하였다 (라라겐(Laragen); 생거(Sanger) 시퀀싱). 비-편향된 라이브러리는 다양화된 영역의 모든 염기 위치에 걸쳐 동등한 다양성 (A, T, G, C 각각 25%)의 다중 뉴클레오티드 피크를 나타낸다. ITR이 무손상이었음을 확인하기 위해, SmaI 소화를 NEB 권고된 프로토콜 (NEB; R0141S)에 따라 수행하였다. 성공적인 형질감염을 확인하고 150 mm 디쉬당 벡터-생산 수율을 평가하기 위해, 10 ng의 *7-mer-i* 라이브러리를 사용하여 HEK293 생산자 세포를 형질감염시켰다. HEK 세포에 걸쳐 mNeonGreen 단백질의 균일한 발현이 관찰되었으며, 150 mm 디쉬당 0.1 내지 $1x10^{11}$ vg의 평균 수율이 얻어졌다. 디쉬당 평균 수율을 사용하여, 생체내 선택을 위한 벡터 생산을 규모 확대하였다 (도 45 참조).

[0256] ***라운드-2 AAV 캡시드 DNA 라이브러리***

[0257] PCR 풀 디자인. 비례 풀링을 유지하기 위해, 개별적 라이브러리의 다양성에 기반하여 풀링될 필요가 있는 각각의 샘플/라이브러리의 분획을 수학적으로 결정하였다. 이 과정은 보다 높은 RC 범위에 해당하는 고-신뢰도 변이체의 간격에 대한 곡선하 면적을 결정함으로써, 노이즈를 불가능하게 하는 다양성의 추정 및 샘플에 걸친 이 다양성의 증폭의 고려를 수반하였다. 곡선하 면적 (AUC)을 라이브러리에서의 모든 회수된 변이체 (X-좌표)를 그들의 리드 카운트 (RC 또는 딥 시퀀싱 데이터로부터의 카피 수, Y-좌표)에 대해 플롯팅함으로써 종합 심슨 (Simpson) 규칙을 사용하여 추정하였다 (도 40 참조). AUC에 대한 명확한 간격을 결정하기 위해, 데이터를 RC의 감소하는 정도에 기반하여 분류하였다. 현저하게, 분포는 2가지 상을 가지며, 보다 높은 RC 범위에서 변이체의 보다 고정적인 기울기, 이어서 곡선의 기울기의 가파른 강하 (~50 내지 1000배 더 낮은 RC)를 갖는다. 관찰에 의해, 곡선의 이 보다 가파른 측은 시퀀싱 오류/ PCR 돌연변이에서 우세한데, 이는 그렇지 않다면 노이즈로 지칭되는 이 오류 우세 기울기가 AUC 추정으로부터 불가능하게 되었기 때문이다. 종합 심슨 규칙을 또 다른 기능, 예컨대 종합 사다리꼴 규칙과 비교하는 경우, 차이는 매우 작았다.

[0258] 이어서 이 영역을 사용하여, 식: [곡선하 면적/ 풀링된 라이브러리의 총 수]을 사용하여 PCR 풀 라이브러리 내로 풀링될 필요가 있는 개별적 라이브러리의 분획을 결정한다.

[0259] 풀링된 샘플을 Q5 폴리머라제에 의해, 프라이머 588-R2lib-F: 5'-CACTCATCGACCAATACTTGTACTATCTCTCT-3' 및 588-R2lib-R: 5'-GTATTCCTTGGTTTTGAACCCAACCG-3'를 사용하여, 10초 동안 98℃, 20초 동안 60℃, 및 30초 동안 72℃의 12 사이클을 갖는 추가의 증폭을 위한 주형으로서 사용하였다. R1 라이브러리 생성과 유사하게, PCR 산물을 rAAV-ΔCap-인-시스-Lox2 플라스미드 내로 어셈블리하고, 바이러스를 생산하였다.

[0260] R2를 수립하는데 사용된 R1 라이브러리는 모든 Cre 라인으로부터 마우스 뇌의 절반 (~0.3 g) 및 척수의 일부 (0.1 내지 0.2g)로부터의 Cre-Lox 플립핑된 rAAV DNA였다. 여기서 프로세싱된 조직의 양은 완전한 캡시드 라이브러리 회수에 충분하였다. 차등적으로 풀링되고 증폭된 라이브러리 (*PCR 풀* 또는 *합성 풀*에 의해)를 추적 PS 또는 엑소뉴클레아제 V 처리 (R1 라이브러리 생성에 기재된 바와 같음)로의 깁슨 어셈블리를 사용하여 어셈블리하였다. 성공적인 라이브러리 생성을 형질전환, 생거 시퀀싱, 및 ITR SmaI 소화에 의해 확인하였다.

[0261] 벡터 생산을 위해, 약 10 ng의 정제되고 어셈블리된 라이브러리를 사용하여 293T 세포의 각각의 150 mm 디쉬를 형질감염시켰으며, 150 mm 디쉬당 약 $6x10^{11}$ vg의 수율이 얻어졌다 (즉, 놀랍지 않게 이들 서열이 R1 선택에 생존하는데 충분하도록 이미 생산되었음을 고려하여, R2 수율은 R1의 그것의 6배였다).

[0262] *합성 풀* 디자인. PCR 풀 전략에 기재된 바와 같이, 라이브러리 분포의 플롯으로부터의 오류-우세 노이즈 기울기 초과의 RC를 갖는 고-신뢰도 변이체를 선택하였다 (도 40 참조). 이는 모든 Cre 라인의 모든 뇌 및 척수 샘플로부터 약 9000개의 서열이 되었다. R1 라이브러리 생성의 설명에 언급된 바와 같은 유사한 프라이머 디자인을 사용하였다. 프라이머 XF: 5'-ACTCATCGACCAATACTTGTACTATCTCTCTAGAAC-3' 및 11-mer-588i: 5'-

GTATTCCTTGGTTTTGAACCCAACCGGTCTGCGCXXXXXXMNNMNNMNNMNNMNNMNNMNNXXXXXXACTCTGGTGGTTTGTG-3', 여기서 "XXXXXXMNNMNNMNNMNNMNNMNNMNNXXXXXX"는 AAV9 캡시드 상의 잔기 587-588 "AQ" 및 잔기 589-590 "AQ"인 7-mer 삽입 부위 (6xX)의 양 말단 상에 플랭킹하는 2개의 인접한 코돈의 변형과 함께 7-mer 조직 회수된 변이체 (7xMNN)의 고유한 뉴클레오티드 서열로 대체되었다. 합성을 위한 서열을 선택하기 위해, R1 뇌 및 척수 라이브러리를 선택하고, *PCR 풀* 전략에 기재된 바와 같이 RC에 대한 동일한 역치 한계를 사용하였다. 이는 모든 Cre 라인의 모든 뇌 및 척수 샘플로부터 약 9000개의 서열이 되었다. 스파이크-인 라이브러리는 11-mer 돌연변이된 변이체를 갖기 때문에, 동일한 프라이머 디자인 (여기서 "XXXXXXMNNMNNMNNMNNMNNMNNMNNXXXXXX")은 11-mer 변이체의 특이적 뉴클레오티드 서열로 대체되었다. 이 라이브러리에서의 각각의 서열의 중복물을 포유동물에 대해 최적화된 상이한 코돈으로 디자인하였다. 프라이머를 주문 제작 파이톤 기반 스크립트를 사용하여 디자인하였다 (코드는 깃허브(Github)에서 이용가능하게 될 것임). 커스텀-디자인된 올리고풀을 트위스트 바이오사이언시스(Twist Biosciences)에 의해 등몰 비로 합성하였다. 올리고풀을 사용하여 pCRII-XE Cap9 주형을 10초 동안 98℃, 20초 동안 60℃, 및 30초 동안 72℃의 13 사이클에 걸쳐 증폭시켰다. 대규모 라이브러리 제조를 위한 보다 높은 수율을 얻기 위해, 제1 PCR의 산물을 프라이머 XF 및 588-R2lib-R (상기 기재됨)을 사용한 제2 PCR을 위한 주형으로서 사용하고, 13 사이클 동안 증폭시켰다. R1 라이브러리 생성의 설명에 기재된 바와 같이, PCR 산물을 rAAV 백본 내로 어셈블리하고, 바이러스 생산을 위해 프로세싱하고 정제하였다. HEK293 세포의 150 mm 디쉬당 약 10 ng은 약 $6x10^{11}$ vg의 바이러스 라이브러리를 생산하였다.

[0263] ***AAV 바이러스 라이브러리 생산 및 정제***

[0264] HEK293 생산자 세포에서 *7-mer-i* 라이브러리의 캡시드 모자이크 형성을 방지하기 위해, 150 mm 디쉬당 단지 10 ng의 어셈블리된 라이브러리를 AAV 벡터 생산을 위한 다른 필요한 시약과 함께 형질감염시켰다. 293T 생산자 세포의 150 mm 디쉬당 10 ng의 라이브러리 형질감염에 추가로, 3가지 플라스미드를 형질감염시켰다: 1:1:2의 비로 AAV2/9 REP-AAP-ΔCap, pUC18 및 pHelper (AAV 복제를 위한 아데노바이러스 단백질을 코딩하는 유전자). 플라스미드 pUC18은 폴리에틸렌이민 (PEI, 폴리사이언시스(Polysciences); 24765-1) 형질감염을 사용한 최적 형질감염에 필요한 N:P 비를 유지하기 위해 소량의 라이브러리 DNA에 대해 보상하는 충전제 DNA로서 작용한다. 세포 및 배양 배지를 형질감염 후 60시간에 수거하여 바이러스 입자를 수집하였다. rAAV 수거 및 정제를 프로토콜에 따라 수행하였다. 플레이트당 소량의 라이브러리 DNA 및 초기 세포 수거 시간은 벡터 생산 동안 모자이크 캡시드 어셈블리의 가능성을 감소시키기 위해 중요하다 (이전의 보고에서 보여진 유사한 고려사항).

[0265] *7-mer-i* 라이브러리에 대해, 생산을 60개의 디쉬 (~$1.8x10^{7}$개 세포/디쉬)로 규모 확대하고, 라이브러리로 ~10% 형질감염시켜, ~$1x10^{8}$개의 총 형질감염체를 발생시켰다. ~$1x10^{8}$개의 총 형질감염체를 갖는 NNK 7mer 라이브러리에 대해, 고유한 변이체의 수는 $9.99x10^{7}$개이다.

[0266] 정제된 rAAV 바이러스 라이브러리로부터의 rAAV DNA 추출을 위해, 정제된 바이러스 라이브러리의 ~10%를 사용하여 프로테이나제 K 처리에 의해 바이러스 게놈을 추출하였다. 정제된 라이브러리로부터 임의의 오염 DNA를 분해시키기 위해, 이를 100 μl의 DNase I 완충제 중 DNase I 효소 (5 μl의 10 U/μl) (시그마-알드리치(Sigma-Aldrich); 4716728001)로 처리하고, 37℃에서 1시간 동안 인큐베이션하였다. 5 μl의 0.5 M EDTA를 70℃에서 10분 동안 첨가함으로써 효소를 불활성화시켰다. DNase I 처리 후, 5 μl의 20 μg/μl의 프로테이나제 K를 함유하는 120 μl의 프로테이나제 용액을 첨가함으로써 캡시드 단백질 쉘을 소화시키고, 50℃에서 밤새 인큐베이션하였다. 프로테이나제 K를 불활성화시키기 위해, 혼합물을 95℃에서 비등시켰다. 이어서 추출된 rAAV 라이브러리 DNA를 농축시키고, 페놀 클로로포름 및 에탄올을 사용하여 정제하였다. 동등한 부피의 페놀:클로로포름:이소아밀 알콜 25:24:1, pH8.0 (~250 μl; 써모피셔 사이언티픽(ThermoFisher Scientific); 15593031)을 첨가하고, 30초 동안 볼텍싱하였다. 혼합물을 실온 (RT)에서 5분 동안 인큐베이션한 후, 15,000 rpm에서 10분 동안 4℃에서 원심분리하였다. 상부 수성 상을 분리하고, 동등한 부피의 클로로포름과 혼합하고, 30초 동안 볼텍싱하였다. RT에서 5분 인큐베이션 후, 15,000 rpm에서 10분 동안 4℃에서 원심분리하였다. 상부 수성 상을 분리하고, 1/10 부피의 3M 아세트산나트륨 (pH 5.2)을 2 μl 공동-침전제 핑크(Co-Precipitant Pink) (바이오라인(Bioline); BIO-37075) 및 2.5 부피의 빙냉 100% 에탄올과 함께 첨가한 후, 30초 동안 볼텍싱하였다. 혼합물을 -20℃에서 적어도 1시간 동안 인큐베이션한 후, 15,000 rpm에서 15분 동안 4℃에서 원심분리하였다. 펠릿을 공기 건조시키고, TE 완충제에 재현탁시켰다. DNA 농도를 큐빗(Qubit) ssDNA 검정을 사용하여 결정하였다.

[0267] ***동물***

[0268] 이 연구에서 수행된 모든 동물 절차는 캘리포니아 인스티튜트 오브 테크놀로지(California Institute of Technology) 동물 보호 및 사용 위원회(Institutional Animal Care and Use Committee) (IACUC)에 의해 승인되었다. 이 연구에 사용된 C57BL/6J (000664), Tek-Cre (8863), SNAP25-Cre (23525), GFAP-Cre (012886), Syn1-Cre (3966), 및 Ai14 (007908) 마우스 라인은 잭슨 래버러토리(Jackson Laboratory) (JAX)로부터 구입하였다. 생체내 라이브러리 선택을 위해, 6- 내지 8-주령 성체 수컷 및 암컷 마우스를 바이러스 라이브러리로 정맥내로 주사하였다. 둘 다의 성별을 캡시드 선택에 사용하여 최소 성별 편향을 갖는 캡시드 변이체를 회수하였다. rAAV의 IV 주사는 성체 마우스의 안구뒤 동 내로였다. rAAV의 형질도입 표현형을 시험하기 위해, 6- 내지 8-주령 C57BL/6J 또는 Tek-Cre 또는 Ai14 성체 수컷 마우스를 무작위로 할당하였다. 실험자는 이 연구에서 수행된 임의의 실험에 대해 맹검이 아니었다.

[0269] ***생체내 선택***

[0270] *7-mer-i* 바이러스 라이브러리 선택을 Cre 트랜스제닉 성체 마우스의 상이한 라인에서 수행하였다: R1 선택을 위해 Tek-Cre, SNAP25-Cre, 및 GFAP-Cre, 및 R2 선택을 위해 그들 3가지 플러스 Syn1-Cre. 수컷 및 암컷 성체 마우스를 R1 선택을 위해 $2x10^{11}$ vg/마우스의 바이러스 벡터 용량, 및 R2 선택을 위해 $1x10^{12}$ vg/마우스의 용량으로 정맥내로 투여하였다. 용량은 선택 라운드에 걸쳐 상이한 바이러스 수율에 기반하여 결정하였다 (도 45). 둘 다의 성별을 사용하여 최소 성별 편향을 갖는 캡시드 변이체를 회수하였다. 주사 후 2주에, 마우스를 안락사시키고, 뇌를 포함한 모든 기관을 수집하고, 드라이 아이스 상에서 순간 동결시키고, -80℃에서 저장하였다.

[0271] ***조직으로부터의 rAAV 게놈 추출***

[0272] 최적화. 조직으로부터의 rAAV 게놈 추출을 위해, 트리졸 방법 (라이프 테크놀로지스(Life Technologies); 15596) 및 퀴아프렙 스핀 미니프렙(QIAprep Spin Miniprep) 키트 (퀴아젠, 인크(Qiagen, Inc); 27104) 둘 다를 제조업체의 권고된 프로토콜에 따라 사용하였으며, 트리졸 방법이 보다 효율적임을 발견하였다. 0.1 g의 마우스 간으로부터의 총 rAAV 게놈 회수물을 ssAAV-ΔCap-인-시스-Lox2 게놈의 mNeonGreen 유전자에 결합하는 프라이머 mNeonGreen-F: 5'-CGACACATGAGTTACACATCTTTGGCTC-3' 및 mNeonGreen-R: 5'- GGAGGTCACCCTTGGTGGACTTC-3'를 사용하여 정량적 PCR에 의해 정량화하였다. 내부 대조군으로서, 소정량의 미토콘드리아 DNA (보다 작은 게놈의 회수의 조치)를 프라이머 Mito-F: 5'-CCCAGCTACTACCATCATTCAAGT-3' 및 Mito-R: 5'-GATGGTTTGGGAGATTGGTTGATGT-3'를 사용하여 정량화하였다. 1 ng 총 추출된 DNA당 바이러스 DNA의 백분율은 트리졸 방법으로보다 퀴아프렙 키트로 약 1.5배 더 높았지만, 전체 회수는 퀴아프렙 키트로가 더 낮았다.

[0273] 추출된 바이러스 게놈을 제한 효소, 예컨대 SmaI (ITR 내에서 발견됨)로 소화시켜, PCR에 의한 rAAV 게놈 회수를 개선시켰다. 이를 Cre+ 프라이머, CapF-56: 5'-ATTGGCACCAGATACCTG ACTCGTAA-3', Cre+R-58: 5'-CAAGTAAAACCTCTACAAATGTGGTAAAATCG-3' 및 Cre- 프라이머, CapF-56 (상기 참조) 및 Cre-R-57: 5'-GTCCAAACTCATCAATGTATCTTATCATGTCTG-3'로의 정량적 PCR에 의해 분석하였다.

[0274] 트리졸 방법으로의 rAAV 게놈 추출. 동결된 뇌 반구의 절반 (대략 0.3 g)을 2 ml 유리 균질화기 (시그마 알드리치; D8938) 또는 모터화 플라스틱 막자 (피셔 사이언티픽(Fisher Scientific);12-141-361, 12-141-363) (보다 작은 조직을 위해)로 균질화하고, 이전의 작업에 기재된 바와 같이 프로세싱하였다. 이어서 추출된 DNA를 3 내지 6 μl의 10 μg/μl RNase 칵테일 효소 믹스 (써모피셔 사이언티픽; AM2286)로 처리하여 RNA를 제거하고, SmaI 제한 효소로 소화시켰다. 이어서 처리된 혼합물을 자이모 DNA 클린 앤 컨센트레이터 키트 (D4033)로 정제하였다. 딥 시퀀싱 데이터 분석으로부터, rAAV 게놈 회수를 위해 프로세싱된 조직의 양은 충분함이 관찰되었다.

[0275] Cre-의존성 PCR에 의한 rAAV 게놈 회수. Cre 재조합에 의해 플립핑된 Lox 부위를 갖는 rAAV 게놈을 선택적으로 회수하고, 단지 Lox 부위가 플립핑된 경우에만 PCR 산물을 산출하는 프라이머로 PCR을 사용하여 증폭시켰다 (도 37 참조). 프라이머 71F: 5'-CTTCCAGTTCAGCTACGAGTTTGAGAAC-3' 및 CDF/R: 5'-CAAGTAAAACCTCTACAAATGTGGTAAAATCG-3'를 사용하였으며, Q5 DNA 폴리머라제를 사용하여 10초 동안 98℃, 30초 동안 58℃, 및 1분 동안 72℃의 25 사이클에 걸쳐 Cre-재조합된 게놈을 증폭시켰다.

[0276] PCR (Cre-비의존성)에 의한 총 rAAV 게놈 회수. 조직으로부터 모든 rAAV 게놈을 회수하기 위해, 프라이머 XF (5'-ACTCATCGACCAATACTTGTACTATCTCTCTAGAAC-3') 및 588-R2lib-R (5'-GTATTCCTTGGTTTTGAACCCAACCG-3')을 사용하여, Q5 DNA 폴리머라제를 사용하여 10초 동안 98℃, 30초 동안 60℃, 및 30분 동안 72℃의 25 사이클에 걸쳐 게놈을 증폭시켰다.

[0277] *NGS를 위한 샘플 제조*

[0278] 딥 시퀀싱을 사용하여 선택을 분석하기 위해, DNA 라이브러리를 프로세싱하고, 바이러스 라이브러리, 및 생체내 선택 후 조직 라이브러리를 다양화된 7-mer 삽입 영역 주위의 유동 세포 어댑터에 첨가하였다 (도 37 참조).

[0279] rAAV DNA 및 바이러스 DNA 라이브러리의 제조. 깁슨-어셈블리된 rAAV DNA 라이브러리 및 바이러스 라이브러리로부터 추출된 DNA를, 캡시드 상의 무작위화된 7-mer 삽입으로부터 50개의 염기 주위에 위치하고, 5' 말단 상에 리드1 및 리드2 유동 세포 서열을 함유하는 프라이머 588i-lib-PCR1-6bpUID-F: 5'-CACGACGCTCTTCCGATCTAANNNNNNAGTCCTATGGACAAGTGGCCACA-3' 및 588i-lib-PCR1-R: 5'-GTGACTGGAGTTCAGACGTGTGCTCTTCCGATCTTCCTTGGTTTTGAACCCAACCG-3'를 사용하여 Q5 DNA 폴리머라제에 의해 증폭시켰다.

[0280] NGS를 위한 DNA 및 바이러스 라이브러리를 최소로 증폭시키는데 사용된 프라이머, 588i-lib-PCR1-6bpUID-F: 5' CACGACGCTCTTCCGATCTAANNNNNNAGTCCTATGGACAAGTGGCCACA-3'는 NGS "5'-CACGACGCTCTTCCGATCT" 및 링커 "AA"에 사용된 리드-1 서열의 19개 뉴클레오티드 뒤에 있는 6개 뉴클레오티드 길이 UID (고유한 식별자) "NNNNNN"을 갖는다. UID "AGTCCTATGGACAAGTGGCCACA" 뒤의 서열은 AAV9 캡시드에 어닐링하는 영역이다. UID는 잠재적인 PCR 증폭 오류를 확인하기 위한 NGS 데이터 분석을 위한 임의적 특색이다. 그러나, 이 특색은 이 UID 특색을 결여한 조직으로부터의 rAAV 게놈 회수에 사용된 프라이머 (프라이머 71F: 5'-CTTCCAGTTCAGCTACGAGTTTGAGAAC-3' 및 CDF/R: 5'- CAAGTAAAACCTCTACAAATGTGGTAAAATCG-3')와의 일관성을 유지하기 위해 이 연구에서 NGS 데이터 분석에 이용되지 않았다. UID 또는 임의의 종류의 오버행은 조직으로부터의 PCR 기반 회수에 영향을 미치는 것으로 보였다. 아마도, 프라이머 열안정성은 조직으로부터의 추출된 rAAV 게놈의 매우 적은 양에 핵심적 역할을 갖는다.

[0281] 50 μl 반응물 중 5 내지 10 ng의 주형 DNA를 사용하여, DNA를 10초 동안 98℃, 30초 동안 60℃, 및 10초 동안 72℃의 4 사이클 동안 최소로 증폭시켰다. 이어서 혼합물을 PCR 정제 키트로 정제하였다. 이어서 용리된 DNA를 제2 PCR에서 주형으로서 사용하여 고유 인덱스 (단일 또는 이중)를 권고된 프라이머 (NEB; E7335S, E7500S, E7600S)를 통해 상기 기재된 것과 동일한 온도 사이클을 사용한 12-사이클 반응에서 첨가하였다. 이어서 샘플을 추가의 프로세싱 및 확인 후 딥 시퀀싱을 위해 보내었다.

[0282] 인덱스 첨가 후 PCR 산물을 겔 상의 대략 120 bp DNA 밴드의 보다 양호한 분리 및 회수를 위해 신선하게 제조된 2% 저-융점 아가로스 겔 (써모피셔 사이언티픽; 16520050) 상에서 구동하였다. NGS를 위해 샘플을 보내기 전에, 무작위화된 7-mer 위치에서의 뉴클레오티드 다양성을 생거 시퀀싱에 의해 확인하였다. 필요에 따라, 프라이머 NGS-QC-F: 5'- AATGATACGGCGACCACCGAG-3' 및 NGS-QC-R: 5'- CAAGCAGAAGACGGCATACGA-3'로 10초 동안 98℃, 30초 동안 60℃, 및 10초 동안 72℃의 15 내지 20 사이클을 사용하여 생거 시퀀싱을 위한 충분한 샘플을 보내기 위해 임의적 PCR을 수행하였다. 확인 시, 라이브러리를 일루미나 하이섹(Illumina HiSeq) 2500 시스템 (밀라드 앤 뮤리엘 자콥스 제네틱스 앤 게노믹스 래버러토리(Millard and Muriel Jacobs Genetics and Genomics Laboratory), 칼테크(Caltech); 인테그레이티브 게노믹스 코어(Integrative Genomics Core), 시티 오브 호프(City of Hope))을 사용하여 딥 시퀀싱을 위해 보내었다.

[0283] rAAV 조직 DNA 라이브러리의 제조. 조직으로부터의 PCR-증폭된 rAAV DNA 라이브러리 (섹션: 생체내 선택 (i) (c) 참조)를 캡시드 상의 무작위화된 7-mer 삽입으로부터 50개의 염기 주위에 위치하고, 5' 말단 상에 리드1 및 리드2 서열을 함유하는 프라이머 1527: 5'-ACACTCTTTCCCTACACGACGCTCTTCCGATCTGACAAGTGGCCACAAACCACCAG-3' 및 1532: 5'-GTGACTGGAGTTCAGACGTGTGCTCTTCCGATCTCCTTGGTTTTGAACCCAACCG-3'에 대한 주형으로서 이 DNA의 1:100 희석으로 추가로 증폭시켰다. DNA를 Q5 핫 스타트 고-충실도 2X 마스터 믹스 또는 NEB넥스트 울트라(NEBNext Ultra) II Q5 마스터 믹스 (NEB; M0544)에 의해 10초 동안 98℃, 30초 동안 59℃, 및 10초 동안 72℃의 10 사이클 동안 증폭시켰다. 혼합물을 PCR 정제 키트로 정제하였다. 이어서 용리된 DNA를 제2 PCR에서 주형으로서 사용하여, 고유한 인덱스 (단일 또는 이중)를 권고된 프라이머 (NEB; E7335S, E7500S, E7600S)를 사용하여 상기 기재된 것과 동일한 온도 사이클로 10-사이클 반응에서 첨가하였다 (DNA 및 바이러스 라이브러리 제조를 위해). 추출된 DNA를 생거 시퀀싱에 의해 확인하고, 이전의 섹션에 기재된 바와 같이 딥 시퀀싱을 위해 보내었다.

[0284] **AAV 벡터의 생체내 특징규명**

[0285] AAV 캡시드 변이체의 클로닝. AAV 캡시드 변이체를 pUCmini 플라스미드 상의 MscI 부위 (위치 581 AA에서)로부터 AgeI 부위 (위치 600 AA에서)까지 걸치는 11-mer 치환 (7-mer-i 변이체의 경우, AAV9 캡시드 AA587-588 "AQ" 및 AA589-590 "AQ"로부터의 플랭킹 아미노산을 코돈 변형으로 처리하였음)을 갖는 중첩하는 정방향 및 역

방향 프라이머를 사용하여 pUCmini-iCAP-PHP.B 백본 (애드진 ID: 103002) 내로 클로닝하였다. 프라이머를 커스텀 파이톤 스크립트 (코드는 깃허브 상에서 이용가능하게 될 것임)를 사용하여 모든 캡시드 변이체에 대해 디자인하였으며, 이들이 전체 단편 삽입을 커버하기 때문에, 이들 프라이머를 자기-어닐링하고, PCR을 사용하여 증폭시켜 주형 DNA의 사용 없이 dsDNA 단편을 생성한다. 이들을 Q5 핫 스타트 고-충실도 2X 마스터 믹스에 의해 10초 동안 98℃, 30초 동안 60℃, 및 10초 동안 72℃의 20 사이클 동안 증폭시킨다. 이어서 이 단편을 깁슨 어셈블리 방법에 의해 MscI/AgeI 소화된 pUCmini-iCAP-PHP.B 백본 내로 어셈블리하였다. 백본 상에 제2 MscI 부위가 있지만; 이는 메틸화에 의해 차단되었다. 이어서 어셈블리된 플라스미드를 NEB 스테이블 컴피턴트(Stable Competent) 이. 콜라이 (뉴 잉글랜드 바이오랩스, 인크(New England Biolabs, Inc); C3040H) 내로 형질전환시키고, 콜로니를 카르베니실린/암피실린-LB 한천 플레이트 상에서 선택하였다.

[0286] AAV-PHP 변이체를 클로닝하는데 사용된 프라이머의 목록: 7-mer-i 및 3-mer-s 라이브러리로부터의 변이체를 11-mer 치환으로서 클로닝하였다.

[0287] **표 6. AAV-PHP 변이체에 대한 프라이머**

변이체 명칭	아미노산	뉴클레오티드 서열	정방향 프라이머 (5'-3')	역방향 프라이머 (5'-3')
AAV-PHP.V1	AQTALKPFLAQ	GCCCAAACCGCCCTCAAACCCTTCCTCGCACAG	GGAGTCCTATGGACAAGTGGCCACAAACCACCAGAGTGCCCAAACCGCCCTCAAACCC (SEQ ID NO: 1032)	TTCCTTGGTTTTGAACCCAACCGGTCTGCGCCTGTGCGAGGAAGGGTTTGAGGGCGGTTTGGGC (SEQ ID NO: 1047)
AAV-PHP.V2	AQTTLKPFLAQ	GCCCAAACCACCCTCAAACCCTTCCTCGCACAG	GGAGTCCTATGGACAAGTGGCCACAAACCACCAGAGTGCCCAAACCACCCTCAAACCC (SEQ ID NO: 1033)	TTCCTTGGTTTTGAACCCAACCGGTCTGCGCCTGTGCGAGGAAGGGTTTGAGGGTGGTTTGGGC (SEQ ID NO: 1048)
AAV-PHP.B4	AQTLQIPFKAQ	GCCCAAACGTTGCAGATTCCTTTTAAGGCACAG	GGAGTCCTATGGACAAGTGGCCACAAACCACCAGAGTGCCCAAACGTTGCAGATTCCT (SEQ ID NO: 1034)	TTCCTTGGTTTTGAACCCAACCGGTCTGCGCCTGTGCCTTAAAAGGAATCTGCAACGTTTGGGC (SEQ ID NO: 1049)
AAV-PHP.B5	AQTLQLPFKAQ (SEQ ID NO: 1062)	GCCCAAACCCTCCAACTCCCCCTTCAAAGCCCAA (SEQ	GGAGTCCTATGGACAAGTGGCCACAAACCACCAGAGTGCCCAAACCCTCCAACTCCC (SEQ ID NO:	TTCCTTGGTTTTGAACCCAACCGGTCTGCGCTTGGGCTTTGAAGGGGAGTTGGAGGGTTTGGGC (SEQ ID NO: 1050)

[0288]

		ID NO: 1068)	1035)	
AAV-PHP.B6	AQTLQQP FKAQ (SEQ ID NO: 1063)	GCCCAAA CTTTGCAG CAGCCGTT TAAGGCA CAG (SEQ ID NO: 1069)	GGAGTCCTATGGAC AAGTGGCCACAAA CCACCAGAGTGCCC AAACTTTGCAGCAG CCG (SEQ ID NO: 1036)	TTCCTTGGTTTTGAAC CCAACCGGTCTGCGC CTGTGCCTTAAACGGC TGCTGCAAAGTTTGG GC (SEQ ID NO: 1051)
AAV-PHP.B7	AQSIERPF KAQ	GCCCAAA GCATCGA AAGACCCT TCAAAGC ACAG	GGAGTCCTATGGAC AAGTGGCCACAAA CCACCAGAGTGCCC AAAGCATCGAAAG ACCC (SEQ ID NO: 1037)	TTCCTTGGTTTTGAAC CCAACCGGTCTGCGC CTGTGCTTTGAAGGGT CTTTCGATGCTTTGGG C (SEQ ID NO: 1052)
AAV-PHP.B8	AQTMQKP FIAQ	GCCCAAA CCATGCAA AAACCCTT CATCGCAC AG	GGAGTCCTATGGAC AAGTGGCCACAAA CCACCAGAGTGCCC AAACCATGCAAAA ACCC (SEQ ID NO:	TTCCTTGGTTTTGAAC CCAACCGGTCTGCGC CTGTGCGATGAAGGG TTTTTGCATGGTTTGG GC (SEQ ID NO: 1053)

[0289]

			1038)	
AAV-PHP.C1	AQRYQGDSVAQ	GCCCAAAGGTATCAGGGTGATTCTGTTGCACAG	GGAGTCCTATGGACAAGTGGCCACAAACCACCAGAGTGCCCAAAGGTATCAGGGTGAT (SEQ ID NO: 1039)	TTCCTTGGTTTTGAACCCAACCGGTCTGCGCCTGTGCAACAGAATCACCCTGATACCTTTGGGC (SEQ ID NO: 1054)
AAV-PHP.C2	AQWSTNAGYAQ	GCCCAATGGTCGACAAACGCTGGTTACGCACAG	GGAGTCCTATGGACAAGTGGCCACAAACCACCAGAGTGCCCAATGGTCGACAAACGCT (SEQ ID NO: 1040)	TTCCTTGGTTTTGAACCCAACCGGTCTGCGCCTGTGCGTAACCAGCGTTTGTCGACCATTGGGC (SEQ ID NO: 1055)
AAV-PHP.C3	AQERVGFAQAQ	GCCCAAGAGCGTGTAGGTTTCGCACAGGCACAG	GGAGTCCTATGGACAAGTGGCCACAAACCACCAGAGTGCCCAAGAGCGTGTAGGTTTC (SEQ ID NO: 1041)	TTCCTTGGTTTTGAACCCAACCGGTCTGCGCCTGTGCCTGTGCGAAACCTACACGCTCTTGGGC (SEQ ID NO: 1056)
AAV-PHP.N	AQTLAVPFSNP (SEQ ID NO: 1064)	GCGCAGACCCTAGCTGTCCCTTTTTCGAACCCT (SEQ ID NO: 1070)	GGAGTCCTATGGACAAGTGGCCACAAACCACCAGAGTGCGCAGACCCTAGCTGTCCCCT (SEQ ID NO: 1042)	TTCCTTGGTTTTGAACCCAACCGGTCTGCGCAGGGTTCGAAAAAGGGACAGCTAGGGTCTGCGC (SEQ ID NO: 1057)
AAV-PHP.X1	AQARQMDLSAQ (SEQ ID NO: 1065)	GCCCAAGCCAGACAAATGGACCTCAGCGC	GGAGTCCTATGGACAAGTGGCCACAAACCACCAGAGTGCCCAAGCCAGACAAAT	TTCCTTGGTTTTGAACCCAACCGGTCTGCGCCTGTGCGCTGAGGTCCATTTGTCTGGCTTGGG

[0290]

		ACAG (SEQ ID NO: 1071)	GGAC (SEQ ID NO: 1043)	C (SEQ ID NO: 1058)
AAV-PHP.X2	AQTNKVGNIAQ (SEQ ID NO: 1066)	GCCCAAACCAACAAAGTCGGCAACATCGCACAG (SEQ ID NO: 1072)	GGAGTCCTATGGACAAGTGGCCACAAACCACCAGAGTGCCCAAACCAACAAAGTCGGC (SEQ ID NO: 1044)	TTCCTTGGTTTTGAACCCAACCGGTCTGCGCCTGTGCGATGTTGCCGACTTTGTTGGTTTGGGC (SEQ ID NO: 1059)
AAV-PHP.X3	AQQNVTKGVAQ	GCCCAACAGAACGTAACGAAGGGTGTGGCACAG	GGAGTCCTATGGACAAGTGGCCACAAACCACCAGAGTGCCCAACAGAACGTAACGAAG (SEQ ID NO: 1045)	TTCCTTGGTTTTGAACCCAACCGGTCTGCGCCTGTGCCACACCCTTCGTTACGTTCTGTTGGGC (SEQ ID NO: 1060)
AAV-PHP.X4	AQLNAIKNIAQ (SEQ ID NO: 1067)	GCCCAACTCAACGCTATCAAGAACATCGCACAG (SEQ ID NO: 1073)	GGAGTCCTATGGACAAGTGGCCACAAACCACCAGAGTGCCCAACTCAACGCTATCAAG (SEQ ID NO: 1046)	TTCCTTGGTTTTGAACCCAACCGGTCTGCGCCTGTGCGATGTTCTTGATAGCGTTGAGTTGGGC (SEQ ID NO: 1061)

[0291]

[0292] AAV 벡터 생산. 최적화된 프로토콜을 사용하여, AAV 벡터를 5 내지 10개의 150 mm 플레이트로부터 생산하였으며, 이는 성체 마우스의 투여를 위한 충분한 양을 산출하였다.

[0293] AAV 벡터 투여. AAV 벡터를 1 내지 $10x10^{11}$ vg의 용량으로 안구뒤 주사를 통해 성체 수컷 마우스 (6 내지 8주령)에게 정맥내로 투여하였다. AAV 용량은 실험적 필요에 의해 결정된다. 정량화를 위한 CAG-NLS-GFP 관련 실험을 이것이 AAV-PHP.eB 특징규명을 위해 이전에 결정된 용량임을 고려하여 $1x10^{11}$ vg의 중간 용량으로 수행하였다. 그렇지 않다면, 비-NLS 게놈 관련 실험을 Cre-유도자 라인 (GFAP-Cre 또는 Tek-Cre)을 제외하고 $3x10^{11}$ vg, 또는 용량이 $1x10^{12}$ vg인 게놈 (GFAP-NLS-mTurq)을 함유하는 보다 낮은 강도 프로모터로 수행하였다. 높은 용량은 이들 시스템에서 새로운 벡터의 충분한 잠재성을 이해하기 위해 선택되었다.

[0294] CAG, 강한 편재적 프로모터를 운반하는 벡터로의 모든 실험을 3주 동안 인큐베이션하였다. 4주 인큐베이션은 일반적으로 보다 긴 대기 시간을 위해 권고되는 Cre 유도자 라인 또는 세포-유형 특이적 프로모터로부터의 발현을 수반한 것이다. 2주 인큐베이션은 벡터가 강한 편재적 프로모터로의 자기-상보적 게놈을 수행한 것이다.

[0295] 조직 프로세싱. 3주의 발현 후 (달리 언급되지 않는 한), 마우스를 유타솔 (펜토바르비탈 나트륨 및 페니토인 나트륨 용액, 비르박 에이에이치(Virbac AH))로 마취시키고, 30 내지 50 mL의 0.1 M 포스페이트 완충 염수 (PBS) (pH 7.4), 이어서 0.1 M PBS 중 30 내지 50 ml의 4% 파라포름알데히드 (PFA)로 경심적으로 관류시켰다. 이 절차 후, 모든 기관을 수거하고, 4% PFA에서 4℃에서 밤새 후고정시켰다. 이어서 조직을 세척하고, 4℃에서 0.1 M PBS 및 0.05% 아지드화나트륨에서 저장하였다. 이 절차에 사용된 모든 용액은 신선하게 제조되었다. 뇌 및 간에 대해, 100-μm 두께 섹션을 라이카(Leica) VT1200 바이브라톰 상에서 커팅하였다.

[0296] 혈관 표지화를 위해, 마우스를 마취시키고, 20 mL의 빙냉 PBS, 이어서 텍사스 레드(Texas Red)-표지된 리코페르시콘 에스쿨렌툼(Lycopersicon Esculentum) (Tomato) 렉틴 (1:100, 벡터 래버러토리스(Vector laboratories), TL-1176)을 함유하는 10 mL의 빙냉 PBS로 경심적으로 관류시키고, 이어서 고정을 위해 30 mL의 빙냉 4% PFA에 정치하였다.

[0297] 면역조직화학. 조직 섹션 - 전형적으로 100-μm 두께 - 을 먼저 로커 상에서 실온에서 24시간 동안 적절한 희석으로 차단 완충제 (0.1 M PBS, pH 7.4 중 10% 정상 당나귀 혈청, 0.1% 트리톤(Triton) X-100, 및 0.01% 아지드화나트륨)에서 1차 항체와 함께 인큐베이션하였다. 이 연구에 사용된 1차 항체는 토끼 S100 (1:400, 앱캠(Abcam), ab868), 토끼 Olig2 (1:400; 앱캠, ab109186), 토끼 NeuN (1:400, 앱캠, ab177487), 및 토끼 GLUT-1 (1:400; 밀리포어 시그마(Millipore Sigma), 07-1401)이었다. 1차 항체 인큐베이션 후, 조직을 총 5 내지 6시간의 기간에 걸쳐 세척 완충제 1 (0.1 M PBS 완충제, pH 7.4 중 0.1% 트리톤 X-100)로 1 내지 3회 세척하였다. 이어서 조직을 실온에서 12 내지 24시간 동안 적절한 희석으로 차단 완충제에서 2차 항체와 함께 인큐베이션하고, 이어서 5 내지 6시간의 총 지속기간에 걸쳐 0.1 M PBS, pH 7.4에서 3회 세척하였다. 이 연구에 사용된 2차 항체는 알렉사 플루오르 647 아피니퓨어(AffiniPure) 당나귀 항-토끼 IgG (H+L) (잭슨 이뮤노리서치 랩(Jackson ImmunoResearch Lab), 711-605-152)이었다. 핵 염색을 수행하는 경우, 4',6-디아미딘-2'-페닐인돌 디히드로클로라이드 (DAPI, 시그마 알드리치, 10236276001)를 0.1 M PBS, pH 7.4에서 1:1000 희석으로 사용하고, 15분 동안 조직과 함께 인큐베이션하고, 이어서 0.1 M PBS, pH 7.4에서 10분 동안 단일 세척하였다. DAPI 및/또는 항체-염색된 조직 섹션을 프로롱 다이아몬드 안티페이트 마운턴트(ProLong Diamond Antifade Mountant) (써모피셔 사이언티픽, P36970)로 실장하였다.

[0298] 조직에서의 혼성화 연쇄 반응 (HCR) 기반 RNA 표지화. 형광 계내 혼성화 연쇄 반응 (FITC-HCR)을 사용하여 흥분성 뉴런을 VGLUT1로 및 억제성 뉴런을 GAD1로 표지하여, 개조된 제3-세대 HCR 프로토콜을 사용하여 뇌 조직에서 AAV 캡시드 변이체 AAV-PHP.N을 특징규명하였다. 뇌 조직에서 AAV 캡시드 변이체 AAV-PHP.N을 특징규명하기 위해, 흥분성 및 억제성 뉴런을 표지하는 HCR 방법이 추구된다. 형광 계내 혼성화 연쇄 반응 (FITC-HCR)을 사용하여 흥분성 뉴런을 VGLUT1로 및 억제성 뉴런을 GAD1로 표지하였다. 제3-세대 HCR을 개조하여, 13개의 프로브 세트를 주문-제작 소프트웨어 (https://github.com/GradinaruLab/HCRprobe)를 사용함으로써 각각의 표적에 대해 디자인하였다. 3주의 발현 후, 앞서 기재된 바와 같이 마우스를 경심적으로 관류시키고, 고정시켰다 (섹션 D. 조직 프로세싱). 고정된 조직에서 RNase 효소 노출을 최소화하기 위해, 4% PFA에서의 밤샘 고정 후, 조직을 세척하고, 4℃에서 0.1 M RNase-무함유 PBS 및 0.05% 아지드화나트륨에서 저장하였다. 수거된 뇌를 RNase에의 노출을 회피하기 위해 시약, 예컨대 RNA레이터 안정화 용액/RNase-무함유 PBS/ RNaseZap (써모피셔 사이언티픽, AM7021, AM9624, AM9780)를 사용하여 이후로 조심하여 취급하였다. 수거된 뇌가 100-μm 두께 섹션으로 시상적으로 슬라이스되었으면, FITC-HCR을 수행하여 둘 다의 유전자를 검출하였다. 조직 슬라이스를 RT에서 1시간 동안 0.1 M RNase-무함유 PBS 중 0.1% 트리톤 X-100으로 투과화하고, 37℃에서 >30분 동안 혼성화 용액 (2xSSC 완충제 (염수-시트르산나트륨) 중 10% 덱스트란 술페이트 및 10% 에틸렌 카르보네이트)에서 사전-혼성화하였다. 디자인된 프로브를 혼성화 용액에 희석하여 2 nM의 최종 농도를 얻었다. 이어서 조직 섹션을 37℃에서 밤새 프로브로 혼성화시켰다. 그 후, 섹션을 사전-가온된 세척 완충제 (2xSSC 중 10% 에틸렌 카르보네이트)로 37℃에서 30분 동안 2회, 이어서 2xSSC로 RT에서 30분 동안 2회 세척하였다. 헤어핀 쌍 (몰리큘라 테크놀로지스(Molecular Technologies), 미국 캘리포니아)으로의 증폭을 증폭 완충제 (2xSSC 중 10x 덱스트란 술페이트)에서 수행하고; 헤어핀을 95℃에서 90초 동안, 이어서 RT에서 30분 동안 순간-냉각시키고, 증폭 완충제 (60 nM)로 희석하였다. 이어서 조직을 헤어핀을 갖는 이 증폭 완충제에서 RT에서 밤새 부드럽게 교반하면서 인큐베이션하였다. 증폭이 수행되었으면, 샘플을 2xSSC로 간략하게 세척하고, 화상화를 위해 프로롱 다이아몬드에 실장하였다.

[0299] 화상화 및 화상 프로세싱. 이 연구에서 모든 화상은 대물렌즈 플루아르(Fluar) 5x 0.25 M27, 플랜-아포크로매트(Plan-Apochromat) 10x 0.45 M27 (작업 거리 2.0 mm), 및 플랜-아포크로매트 25x 0.8 Imm 코어(Corr) DIC M27 다중-침전을 사용한 자이스(Zeiss) LSM 880 공초점 현미경으로; 또는 키엔스(Keyence) BZ-X700 현미경으로 획득하였다. 획득된 화상을 젠 블랙(Zen Black) 2.3 SP1 (자이스), BZ-X 애널라이저(Analyzer) (키엔스), 일러스트레이터(Illustrator) CC 2018 (어도비(Adobe)), 포토샵(Photoshop) CC 2018 (어도비), 및 이마리스(Imaris) (비트플레인(Bitplane))에서 프로세싱하였다. 다중 형광 스펙트럼 중첩으로부터 초래되는 임의의 화상화 인공물을 방지하기 위해, 형광 여기 및 방출 스펙트럼을 개별적 색상의 권고된 선형 비혼합된 획득에 따라 별개로 유지하였다. 근적외선 형광 염료를 생체내 형광 발현과는 별개의 화상화 파라미터를 유지하기 위해 임의의 추가의 마커 염색을 위해 선택하고, 그에 의해 검출기 채널에 걸친 임의의 스펙트럼 중첩을 방지하였다. 조직을 통상적으로 획득 전에 자가 형광 또는 화상화 인공물에 대해 모니터링하고, 화상화 파라미터를 필요에 따라 조정하였다. 화상화 파라미터를 생체내 형질도입을 결여한 조직으로 교차-점검하여 임의의 화상화 인공물을 회피하였다. 화상에 사용된 영역은 비교 동안 편향을 최소화하기 위해 실험군에 걸쳐 가깝게 매칭되었다.

[0300] 두꺼운 조직의 조직 클리어링 및 화상화. 두꺼운 조직, 예컨대 마우스-뇌 반구의 절반 또는 대퇴골에 걸쳐 혈

관구조를 형질도입하는 PHP.V1의 능력을 입증하기 위해, Tek-Cre 마우스로부터의 조직을 4주의 발현 후에 평가하였다.

[0301] 뇌 반구를 1차 항체, 항-GFP (아베스 랩스(Aves Labs), GFP-1020), 및 2차 항체, 염소 항-닭 IgY, 알렉사 플루오르 633 (써모피셔 사이언티픽, A-21103)으로 염색하고, iDISCO 프로토콜[38]을 통해 클리어링하였다. 화상화를 위해, 커스텀 대물 렌즈 (4x)를 갖는 상업용 광-쉬트 현미경 (라비젼 바이오텍(Lavision BioTec))을 사용하였다. 생성된 화상 파일을 커스텀 MATLAB 스크립트에 의해 재조직화하여 테라스티처(TeraStitcher)로의 스티칭을 허용하였다. 3-D 가시화를 위해, 이마리스 (비트플레인)를 사용하였다.

[0302] 마우스 대퇴골을 화상화하기 위해, 뼈를 항체 제조를 위해 300-μm 두께로 섹션화하고, 1차 항체, 항-GFP, 및 2차 항체, 알렉사 플루오르 488 당나귀 항-닭 IgY (잭슨 이뮤노리서치 랩, 703-545-155)로 염색하고, 이어서 TDE (2-2'-티오디에탄올) 클리어링 방법[41]을 통해 클리어링하였다. 화상을 공초점 현미경 (자이스 LSM 880)으로 획득하고, 이마리스 소프트웨어에서 가시화하였다.

[0303] 생체내에서의 rAAV 형질도입의 정량화를 위한 조직 프로세싱 및 화상화. rAAV 형질도입의 정량화를 위해, 6- 내지 8-주령 마우스를 3주 동안 발현하도록 허용된 (달리 특정되지 않는 한) 바이러스로 정맥내로 주사하였다. 마우스를 군으로 무작위로 할당하였으며, 실험자는 맹검이 아니었다. 마우스를 관류시키고, 기관을 PFA에서 고정시켰다. 뇌 및 간을 100-μm 두께 섹션으로 커팅하고, 상기 기재된 바와 같이 상이한 세포-유형-특이적 항체로 면역염색하였다. 화상을 자이스 LSM 880 공초점 현미경 상의 25x 대물렌즈로 또는 키엔스 BZ-X700 현미경으로 획득하고; 군에 걸쳐 직접적으로 비교되는 화상을 동일한 현미경 및 설정으로 획득하고, 프로세싱하였다.

[0304] 조직에서의 PHP.B-패밀리 변이체 형질도입의 정량화를 위해, 화상을 자이스 LSM 880 공초점 현미경 상의 1x 디지털 줌을 갖는 25x 대물렌즈를 사용하여 획득하였다. 변이체당 n=3마리의 마우스로, 화상을 4가지 뇌 영역 - 피질, 선조체, 복측 중뇌 및 시상에 걸쳐 획득하고, 조직을 3가지 세포 유형 마커 (NeuN, Olig2, 및 S100)로 염색하였다. 각각의 마우스에 대해, 세포 유형 마커당 뇌 영역당 2개의 화상을 획득하고, 평균을 플롯팅하였다.

[0305] PHP.N 형질도입 분석을 위해, 화상을 키엔스 BZ-X700 현미경 상의 20x 대물렌즈를 사용하여 획득하였다. n=3마리의 마우스로, 3가지 세포 유형 마커 (NeuN, Olig2, 및 S100)에 대해 전체 뇌 영역을 커버하기 위해 4가지 뇌 영역 - 피질, 선조체, 복측 중뇌 및 시상에 걸친 화상을 획득하였다. 이는 세포-유형 마커당 마우스당 피질, 시상 및 선조체를 커버하기 위해 6 내지 8개의 화상, 및 복측 중뇌를 커버하기 위해 2개의 화상을 수반하였다. 각각의 마우스에 대해, 각각의 영역에 걸쳐, 화상으로부터의 평균을 플롯팅하였다.

[0306] PHP.V GLUT1^{+} 형질도입 분석을 위해, 화상을 자이스 LSM 880 공초점 현미경 상의 1x 디지털 줌을 갖는 25x 대물렌즈를 사용하여 획득하였다. GLUT1^{+} 염색 및 XFP 발현을 갖는 화상에서의 각각의 별개의 혈관은 형질도입에 대해 양성으로서 결정되었다. CAG-mNeonGreen 벡터로부터의 발현의 정량화를 피질에 걸쳐 수행하였다 (n = 군당 3). 각각의 데이터 점을 마우스당 3 내지 2개의 화상의 평균으로부터 도출한다. 상이한 뇌 영역을 n = 군당 2로 Tek-Cre 및 Ai14 마우스 실험에 대해 정량화하였다. 피질, 소뇌, 선조체 및 복측 중뇌에 대해, 평균을 영역당 마우스당 3 내지 4개의 화상으로부터 플롯팅하였다.

[0307] **AAV 벡터의 시험관내 특징규명**

[0308] 인간 뇌 미세혈관 내피 세포 (HBMEC) (사이언셀 리서치 래버러토리스(ScienCell Research Laboratories), Cat. 1000)를 판매업체에 의해 제공된 지시서에 따라 배양하였다. HBMEC를 내피 세포 배지 (Cat. 1001)를 사용하여 피브로넥틴-코팅된 T-75 플라스크 (7000 내지 9000개 세포/cm^{2} 시딩 밀도)에서 동결된 스톡 바이알로부터 배양하였다. 세포를 피브로넥틴-코팅된 48-웰 플레이트 (0.95 cm^{2} 성장 면적)에서 권고된 시딩 밀도로 계대배양하고, 세포가 ~ 70 내지 80% 전면생장률로 완전히 부착성일 때까지 37℃에서 ~ 24 내지 48시간 동안 인큐베이션하였다. pAAV-CAG-mNeongreen을 패키징하는 바이러스 벡터를 웰당 1x10^{8} 또는 1x10^{10} vg (벡터당 용량당 3개의 웰)의 용량으로 세포 배양물에 첨가하였다. 배지를 24시간 후에 교체하고, 배양물을 감염 후 3일에 형광 발현에 대해 평가하였다. 판매업체의 권고사항에 따라, 배양 배지를 세포 배양을 유지하기 위해 격일로 교체하였다.

[0309] ***데이터 분석***

[0310] 마우스 조직에서의 rAAV 벡터 형질도입의 정량화. 수동 카운팅을 발현 및/또는 항체 염색이 전체 세포 형태학

을 커버한 세포 유형에 대해 어도비 포토샵 CC 2018 카운트 툴(Count Tool)로 수행하였다. 키엔스 하이브리드 세포 카운트 소프트웨어 (BZ-H3C)를 사용하였으며, 여기서 소프트웨어는 전체 데이터세트에서 별개의 세포를 신뢰성 있게 검출할 수 있다. 상이한 마커 및 군에 걸쳐 카운팅의 일관성을 유지하기 위해, 모든 뇌 영역에서 모든 군에 걸쳐 정량화하는데 한 사람을 배정하였다.

[0311] 수동 카운팅을 GLUT-1-염색된 혈관 및 ssAAV:CAG-mNeonGreen 및 ssAAV:CAG-DIO-EYFP의 발현에 대해 수행하였으며, 여기서 효율은 GLUT-1 염색에 비해 XFP+ 혈관의 백분율로서 계산되었다. 수동 카운팅을 또한 수행하여 NeuN-, Olig2-, 및 S100-염색된 세포를 포함한 핵 또는 체세포 염색된 세포를 정량화하였다. 효율은 세포-마커+ 세포에 비해 XFP+ 세포의 백분율로서 계산되었다.

[0312] 키엔스 하이브리드 세포 카운트 소프트웨어 (BZ-H3C)를 사용하여 DNA 염색, DAPI와 공동-국재화된 간 간세포에서 핵 국재화된 AAV 게놈의 발현을; 및 또한 S100 세포 마커를 갖는 ssAAV:GFAP-2xNLS-mTurquoise2 게놈을 수반하는 연구를 위해 정량화하였다.

[0313] 현미경 화상에 걸친 평균 형광 강도를 이미지제이(ImageJ) 소프트웨어를 사용하여 정량화하였다. 화상을 배경 차감을 위해 프로세싱하고, 역치 작동을 사용하여, 평균 형광 강도를 측정하였다.

[0314] NGS 데이터 정렬 및 프로세싱. NGS 실행으로부터의 원시 fastq 파일을 다양화된 영역 7xNNK (R1에 대해) 또는 11xNNN (R2에 대해, 이는 11xNNN으로서 합성되었기 때문에)을 함유하는 AAV9 주형 DNA 단편에 대해 데이터를 정렬하는 주문 제작 스크립트 (코드는 깃허브 상에서 이용가능하게 될 것임)로 프로세싱하였다. 이들 데이터세트를 프로세싱하는 파이프라인은 데이터세트를 필터링하여 각각의 서열에 대한 딥 시퀀싱 품질 점수를 사용함으로써 저-품질 리드를 제거하는 것을 수반하였다. 이어서 플랭킹 주형 서열에 대해 검색하고, 다양화된 영역의 뉴클레오티드를 추출함으로써 (완벽한 스트링 매치 알고리즘) 변이체 서열을 시퀀싱 리드로부터 회수하였다. 정렬된 데이터의 품질을 추가로 조사하여 임의의 오류성 서열 (예컨대 정지 코돈을 갖는 것들)을 제거하였다. 원시 데이터를 플롯팅하여 (보충 도 1e에 나타내어진 바와 같음) 모든 라이브러리에 걸친 회수의 품질을 연구하였다. RC 분포에 기반하여, 본 발명자들은 역치화 방법을 개조하여 PCR 또는 NGS 기반 오류로부터 초래될 수 있는 타당한 오류성 돌연변이체를 제거하였다. 가정은 회수된 모체 서열 상에 PCR 돌연변이 또는 NGS 오류가 있는 경우, 모체는 오류성 서열보다 적어도 1 라운드 빨리 존재해야 하고, 따라서 RC에서의 차이가 존재해야 한다는 것이다.

[0315] R1 조직 라이브러리에 대해, 낮은 카운트 서열의 긴 꼬리 뒤의 분포 곡선의 기울기에서 가파른 강하가 관찰되었고, 보다 높은 카운트 범위에서 모체의 변이인 서열에 풍부한 것으로 밝혀졌다. RC에 대한 역치를 수동으로 설정하여 이러한 오류성 돌연변이체를 제거하였다. 이어서 역치화된 데이터를 커스텀 파이톤 기반 스크립트를 사용하여 다른 곳에 기재된 바와 같이 실험적 필요에 기반하여 상이하게 프로세싱하였다.

[0316] *PCR 풀* 및 *합성 풀*로부터의 R2 조직 라이브러리에 대해, R1에 비해 더 작은 라이브러리 크기를 고려하여, 데이터를 2 단계로 역치화하였다. 단지 각각의 입력 DNA 및 바이러스 라이브러리에 존재한 조직 회수된 서열을 고려하였다 (R1 조직 라이브러리와 동일한 원리에 따라 입력 라이브러리로부터 보다 낮은 카운트 변이체를 제거한 후). 이 단계는 낮은 카운트 리드의 긴 꼬리를 부분적으로 제거하였다. 제2 단계로서, R1 조직 라이브러리에 대해 기재된 역치화를 적용하였다.

[0317] 진정한 변이체는 역치화 동안 소실될 수 있음이 타당하지만, 이 방법은 조직 및 바이러스 라이브러리에서의 낮은 카운트 돌연변이체가 종종 매우 높은 풍부화 점수를 갖는 것으로 보였기 때문에 (RC가 입력 라이브러리에 대해 정규화되기 때문에) 가양성을 최소화하였다. 다시 말해서, 역치화는 그들의 NGS RC에 보다 높은-신뢰도를 가진 양성으로 및 음성으로 풍부화된 변이체에 대한 선택적 조사를 허용하였다.

[0318] 수동 역치화 방법에 대한 대안으로서, "붕괴(Collapsing)"로 지칭되는 임의적 오류 교정 방법을 수립하여 필터링된 데이터세트로부터의 결과를 추가로 확인하였다. 이 방법은 가장 낮은 카운트 변이체 (카운트 1의 변이체)에서 시작하고, 1개의 뉴클레오티드에 의해 오프되지만 적어도 2배 더 높은 카운트를 갖는 (배수 변화 = $(2^{\Delta CT})$, 여기서 CT는 PCR 사이클 역치임) 잠재적 모체 변이체에 대해 검색한다. 이어서 이 오류 교정 방법은 이들 잠재적 오류성 서열의 카운트를 그들의 기원 서열로 이동시키고, 모든 서열이 고려될 때까지 반복적으로 반복한다. 이 오류 교정을 역치화된 데이터에 적용할 때, 서열의 추가의 ~0.002 내지 0.03%가 포획되었으며 (역치화에 의해 포획된 >19%에 비해), 이는 역치화 전략이 크게 성공적이었음을 확인시켜 준다.

[0319] NGS 데이터 분석. 이어서 정렬된 데이터를 파이톤에 작성된 스크립트 (깃허브 상에서 이용가능함)로 커스텀 데

이터-프로세싱 파이프라인을 통해 추가로 프로세싱하였다. 상이한 라이브러리에 걸친 변이체 (총 = N)의 풍부화 점수를 리드 카운트 (RC)로부터 하기 식에 따라 계산하였다: ***풍부화 점수 = log10 [(조직 라이브러리1에서의 변이체 1 RC/ 라이브러리1에서의 변이체 N RC의 합계) / (바이러스 라이브러리에서의 변이체 1 RC/ 바이러스 라이브러리에서의 변이체 N RC의 합계)]***

[0320] R1 및 R2 선택된 변이체 사이의 라이브러리 회수를 일관적으로 나타내기 위해, R1 선택에서의 변이체의 풍부화 점수를 추정하였다. 특이적 라이브러리에서의 변이체의 표준 점수를 이 식을 사용하여 계산하였다: 표준 점수 = (리드 카운트_i - 평균)/표준 편차. 리드 카운트_i가 변이체 i의 원시 카피 수인 경우, 평균은 특이적 라이브러리에 걸친 모든 변이체의 리드 카운트의 평균이고, 표준 편차는 특이적 라이브러리에 걸친 모든 변이체의 리드 카운트의 표준 편차이다.

[0321] DNA 및 바이러스 라이브러리는 조직 라이브러리와는 달리 완전히 샘플링되지 않았기 때문에, 본 발명자들은 입력 라이브러리에 존재하지 않지만 출력 라이브러리에 존재한 변이체에 대한 추정된 RC를 할당하였다. 예를 들어, R1 바이러스 라이브러리는 R1 조직 라이브러리에 대한 입력 라이브러리이다. 추정된 RC는 이들 변이체가 딥 시퀀싱으로부터 회수된 변이체보다 상대적으로 더 낮은 풍부도로 발견되었다는 가정으로 라이브러리에서 가장 낮은 RC보다 더 낮은 수로서 정의된다. 바이러스 라이브러리에서, 1.0의 RC가 가장 낮았기 때문에, 본 발명자들은 모든 상실 변이체를 0.9의 추정된 RC를 할당하였다. 본 발명자들은 이 방법을 사용하여 R1 바이러스 라이브러리에 대해 정규화된 R1 조직 라이브러리의 풍부화 점수를 계산한다 (도 1d). 이를 수행하여 2개의 선택 라운드에 걸쳐 일관적으로 라이브러리를 나타내었다. 그러나, R1 변이체 중에서 개별적 풍부화 점수는 RC를 사용하여 R1에서 신호 대 노이즈를 분리하기 위한 기준에 기재된 바와 같이 R2 선택을 위해 선택된 변이체에 유의한 값을 더하지 않았다.

[0322] 열지도 생성. 다양화된 영역의 상대 AA 분포는 열지도로서 플롯팅된다. 플롯을 파이톤 플롯틀리(Python Plotly) 플롯팅 라이브러리를 사용하여 생성하였다. 열지도 값을 커스텀 "페파스(pepars)" 파이톤 패키지에서의 기능을 사용하여, 파이톤에서 작성된 커스텀 스크립트로부터 생성하였다. 각각의 열지도는 아미노산 서열의 예상된 (입력) 분포 및 출력 분포 둘 다를 사용한다. 출력 분포는 서열 및 그들의 카운트의 목록이어야 하고, 입력 분포는 서열 및 그들의 카운트의 목록, 또는 주형, 예컨대 NNK로부터의 예상된 아미노산 빈도일 수 있다. 입력 및 출력 둘 다에 대해, 각각의 위치에서의 아미노산의 총 카운트는 각각의 서열의 카운트에 따라 집계되고, 이어서 카운트의 총 합계로 나누어, 각각의 위치에서의 각각의 아미노산의 빈도를 제공한다. 이어서, log2 배수 변화를 출력 및 입력 사이에 계산한다. 입력 또는 출력 중 어느 하나에서 0의 카운트를 갖는 아미노산에 대해, 계산은 수행되지 않는다. 통계적으로 유의한 아미노산 편향 사이를 구별하기 위해, 통계적 검정을 스태츠모델스 파이톤 라이브러리를 사용하여 수행하였다. 2개의 아미노산 카운트가 있는 경우에 대해, 양측, 양비율 z-검정을 수행하였고; 출력 아미노산 카운트를 주형으로부터의 예상된 입력 빈도와 비교하기 위해, 단비율 z-검정을 수행하였다. 이어서 모든 p-값을 본페로니 교정을 사용하여 다중 비교를 위해 교정하였다. 이어서 단지 1e-4의 유의성 역치 미만의 편향 차이를 열지도 상에 개요하고; 모든 다른 (비유의한) 정사각형은 비어 있는 채로 남긴다.

[0323] 클러스터링 분석. MATLAB (버전 R2017b; 매쓰웍스(MathWorks))에서 작성된 커스텀 스크립트를 사용하여, 2개의 펩티드 사이에 공유된 AA의 수를 나타내는 역방향 해밍(Hamming) 거리를 결정하였다. 이어서 시토스케이프 (Cytoscape) (버전 3.7.1[53]) 소프트웨어를 사용하여 변이체를 클러스터링하였다. 강조된 클러스터를 나타내는 AA 빈도 플롯을 웹로고(Weblogo) (버전 2.8.2)를 사용하여 생성하였다. 역방향 해밍 거리 (2개의 펩티드 사이에 공유된 AA의 수를 나타냄)를 R2 선택 후 10 초과의 카운트 및 2.5배 초과의 풍부화를 갖는 모든 고유한 캡시드 변이체에 대해 결정하였다. 이 과정은 각각의 변이체를 군 내의 모든 다른 변이체와 반복적으로 비교한다. 이어서 캡시드 변이체를 시토스케이프를 사용하여 그들의 역방향 해밍 거리에 의해 클러스터링하였다. 가시화를 위한 최소 역방향 해밍 거리를 서열 유사성에 기반하여 수동으로 선택하였다.

[0324] 아미노산 빈도 플롯을 위해, 하부의 수는 1로부터 시작하는 다양화된 모티프의 위치를 나타낸다. 스택에서의 아미노산의 크기는 AA가 모티프에서 그 특이적 위치에서 나타나는 고유한 클론의 비율을 반영한다. 색상 코드는 AA 특성에 기반한다. 양으로 하전된 잔기 K, R, 및 H는 청색이다. 음으로 하전된 잔기 D 및 E는 적색이다. 극성 잔기 Q, 및 N을 함유하는 아미드는 마젠타이다. 극성 잔기 T, 및 S는 녹색이다. 소수성 잔기 A, L, V, I, P, F, M, 및 W는 흑색이다.

[0325] **실시예 3. 멀티플렉스화-CREATE는 라운드-1 선택 동안 캡시드 라이브러리의 상세한 특징규명을 허용한다.**

[0326] 특이적 세포 유형 또는 기관에 풍부한 변이체를 확인하기 위해, 다수의 표적에 걸친 평행 선택을 수행하고, 그

들 표적에 걸친 각각의 캡시드 변이체의 풍부화 또는 고갈을 맵핑하였다.

[0327] DNA 및 바이러스 라이브러리 생성 동안, 특정 캡시드 변이체를 과다-제시하는 편향의 축적에 대한 잠재성이 있으며, 이는 생체내 선택 동안 그들의 진정한 풍부화를 모호하게 한다. 이들 편향은 DNA 라이브러리에서의 PCR 증폭 편향 또는 다양한 단계: 캡시드 어셈블리, 게놈 패키징 및 정제 동안의 안정성에 걸친 바이러스 생산의 효율에서의 서열 편향으로부터 초래될 수 있다. 이를 rAAV-ΔCap9-인-시스-Lox2 플라스미드 (도 36)에서 AAV9의 위치 588-589 사이에 삽입된 무작위화된 7-mer 라이브러리인 *7-mer-i* 라이브러리로 조사하였다 (도 1 및 2). DNA 어셈블리 및 바이러스 정제 후 라이브러리를 10 내지 20 백만 (M) 리드의 깊이로 시퀀싱하는 것은 바이러스 생산 동안 변이체 중에서 편향을 포획하는데 적당하였으며 (도 3; 이들 라이브러리 중에서 ~1% 변이체 중첩에도 불구하고; 도 38 및 39), 이는 588-589와 같은 심지어 허용적 부위가 샘플링된 서열 공간 상에 생물학적 제약을 부과할 것임을 입증한다. DNA 라이브러리는 ~10 M개 총 리드 내의 9.6 M개의 고유한 변이체의 균일한 분포를 가지며 (리드 카운트 (RC) 평균 = 1.0, S.D. = 0.074), 이는 최소 편향을 지시한다. 대조적으로, 바이러스 라이브러리는 ~20 M 깊이 내에 3.6 M개의 고유한 변이체를 가지며 (RC 평균 = 4.59, S.D. = 11.15), 이는 바이러스 생산 동안 변이체의 하위세트의 풍부도를 지시한다.

[0328] 생체내 선택을 위해, *7-mer-i* 바이러스 라이브러리를 상이한 뇌 세포 유형에서 Cre를 발현하는 성체 트랜스제닉 마우스당 $2x10^{11}$ vg의 용량으로 정맥내로 주사하였다: 성상세포에 대해 GFAP-Cre 마우스, 뉴런에 대해 SNAP25-Cre 마우스, 및 내피 세포에 대해 Tek-Cre 마우스 (*n* = Cre 트랜스제닉 라인당 2마리의 마우스, 방법 참조). 정맥내 (IV) 주사 후 2주에, 뇌 및 간 조직을 수거하였으며, 후자는 AAV9가 이를 높은 효율로 형질도입하기 때문에 대조군 기관으로서 역할을 하였다. rAAV 게놈을 조직으로부터 추출하고, Cre-발현 세포를 형질도입한 캡시드를 선택적으로 증폭시켰다 (도 40 내지 44). 딥 시퀀싱 시에, 뇌 조직으로부터 회수된 ~$8x10^4$개의 고유한 뉴클레오티드 변이체 및 척수에서의 < 50개의 변이체 (이들 중 ~48%는 바이러스 라이브러리에서 확인되었음)를 트랜스제닉 라인에 걸쳐 관찰하였으며, 각각의 변이체는 뇌 및 출발 바이러스 라이브러리 사이의 상대 풍부도의 변화를 반영하는 풍부화 점수로 나타내어졌다 (도 4).

[0329] 이 데이터세트의 2가지 특색이 두드러진다. 첫째, 뇌 조직에서의 회수된 변이체는 바이러스 생산 후의 시퀀싱에 의해 관찰된 형질전환된 캡시드 라이브러리의 분획 중에서 불균형적으로 나타내어졌으며, 이는 어떻게 생산 편향이 선택 결과를 사행시켰는지를 입증한다. 둘째, 캡시드 리드 카운트 (RC)의 분포는 선택 후의 고유한 회수된 변이체의 절반 초과가 현저하게 낮은 리드 카운트에서 나타남을 밝혀내었다. 이들 변이체는 실험적 조작으로부터의 비의도된 돌연변이체 또는 CNS 형질도입의 낮은 기저 수준을 갖는 AAV9-유사 변이체일 수 있다 (도 40).

[0330] **실시예 4. 신규한 라운드-2 라이브러리 디자인은 선택 결과를 개선시킨다**

[0331] 바이러스 생산 및 회수 동안 서열 편향이 사후 풍부화 점수화에도 불구하고 선택 라운드에 걸쳐 전파될 것이라는 우려 하에, 비편향된 라이브러리를 올리고 풀 (트위스트 바이오사이언스)을 통해 라운드-1 (R1) 출력 (*합성 풀* 라이브러리)에 기반하여 디자인하였다. 이 라이브러리를 회수된 R1 DNA로부터 직접적으로 증폭된 라이브러리 PCR (*PCR 풀* 라이브러리)과 비교하였다 (도 5, 표 7).

[0332] 표 7: R2 선택을 위한 2가지 방법 사이의 비교. 표는 합성 풀 및 PCR 풀 R2 선택 방법에 의한 선택 디자인 파라미터의 예상 및 결과를 요약한다.

디자인 파라미터	*합성 풀* 디자인	*PCR 풀* 디자인
변이체 중에서 R1 선택 편향의 캐리오버	없음, 가양성의 가능성이 낮음	있음, 정규화에 의해 최소화될 잠재성
R1 선택 유도된 돌연변이체의 캐리오버	없음	있음
라이브러리 성능의 신뢰도	높음, 교대 코돈 복제물을 사용함	낮음
라이브러리를 주문제작하거나 내부 대조군을 첨가함	있음, 비편향된 방식으로	있음, 편향의 위험성이 보다 큼
라이브러리 크기를 제어함	있음, 라이브러리 또는 풀링을 감소시키지 않음	있음, 풀링을 위해 감소된 라이브러리를 가짐
R2 라이브러리 생성을 위한 비용	높음	낮음

[0333]

[0334] *합성 풀* 라이브러리 디자인은 (1) 뇌 및 척수로부터의 R1 선택 중 적어도 하나에서 높은 리드 카운트로 존재하는 등몰량의 ~8950개의 캡시드 변이체 (도 40); (2) 가양성을 감소시키는 그들 ~8950개의 변이체의 대안적 코돈 복제물 (포유동물 코돈에 대해 최적화됨); 및 (3) 18,000개의 뉴클레오티드 변이체의 총 라이브러리 크기를 발생시키는 대조군의 "스파이크-인" 라이브러리 (도 74 및 75)를 포함하였다.

[0335] 예상된 바와 같이, 둘 다의 라운드-2 (R2) 바이러스 라이브러리는 높은 역가를 생산하였고 (150 mm 디쉬당 10 ng의 R2 DNA 라이브러리당 ~$6x10^{11}$ vg; 도 45), R2 DNA로부터의 변이체의 ~99%는 바이러스 생산 후에 발견되었다 (도 6). 그러나, 둘 다의 디자인으로부터의 DNA 및 바이러스 라이브러리의 분포는 유의하게 상이하였다. *PCR 풀* 라이브러리는 R1 선택 편향을 향해 운반하며 (도 7, 46, 및 47), 여기서 풍부도는 R1에서의 조직에 걸친 이전의 풍부화 뿐만 아니라 바이러스 생산 및 샘플 혼합으로부터의 편향을 반영한다. 비교적, *합성 풀* DNA 라이브러리는 보다 고르게 분포되어, 선택 라운드에 걸친 편향 증폭을 최소화한다.

[0336] 생체내 선택을 위해, 성체 트랜스제닉 마우스당 $1x10^{12}$ vg의 용량을 이전에 사용된 라인 (n = Cre 트랜스제닉 라인당 2마리의 마우스 - GFAP, SNAP25, Tek), 뿐만 아니라 Syn-Cre 라인 (뉴런에 대해) 중 3마리 내로 투여하였다. IV 주사 후 2주에, 뇌 샘플로부터의 rAAV 게놈을 추출하고, 선택적으로 증폭시키고, 딥 시퀀싱하였다 (R1에서와 같이). 합성 풀 라이브러리는 PCR 풀 뇌 라이브러리보다 더 많은 수의 양성으로 풍부화된 캡시드 변이체를 생산하였다 (예를 들어 GFAP-Cre에서 아미노산 (AA) 수준에서 ~1700개 대 ~700개 변이체/조직 라이브러리) (도 8 및 48). 합성 풀에서, 스파이크-인 라이브러리로부터의 변이체의 ~90%는 예상된 바와 같이 양성으로 풍부화되었다 (도 48, 중간 패널; 도 74).

[0337] PCR 및 합성 풀 라이브러리 둘 다로부터 회수된 변이체의 풍부화 점수에 대한 상관관계의 정도는 각각의 Cre 트랜스제닉 라인에서 다양하였으며, 이는 실험 내의 노이즈의 존재를 입증한다 (도 49). 합성 풀의 코돈 복제물 특색은 노이즈 위로 발생하는 각각의 선택 내에서 필요한 풍부화의 수준을 집어냄으로써 이 곤경을 다룬다 (도 9, 50, 및 51). 이는 PCR 풀 디자인에 비해 유의한 이점이며, 이는 연구자들이 주어진 선택에서 풍부화 점수를 확신적으로 해석하는 것을 허용한다.

[0338] 상관관계가 파괴되는 풍부화의 정도는 Cre-라인에 따라 다양한 것으로 보인다. PCR 풀의 단점은 그것 또는 합성 풀이 보다 '진정한' 풍부화 점수인지 여부를 알 방법이 없다는 것 또는 심지어 특정 풍부화 값에 관한 문제에 대한 원인이 있을 수 있다는 것이다. 2가지 방법 사이의 양성으로 풍부화된 변이체 중에서의 상관관계는 양성 풍부화의 규모로 개선되는 것으로 밝혀졌다. 각각의 실험에 대해 그 미만의 점수가 비재현가능하거나, 노이

즈성이 되는 풍부화의 수준이 있다. 도 50은 PCR 풀도 합성 풀도 보다 낮은 풍부화 점수에서 고유하게 보다 '진정하지' 않음을 입증한다. 이는 그의 코돈 복제물을 갖는 합성 풀 방법론이 그 미만의 풍부화 값이 추가의 예측력을 갖지 않는 풍부화 수준을 결정하는 자기-함유된 대조군을 갖기 때문이다. 용어 '노이즈'는 그 미만의 값이 그들의 재현가능성 및 예측력을 상실하는 특정 실험에서의 풍부화의 영역을 지칭하기 위해 본원에 사용되었다. 노이즈 위의 풍부화 신호를 실험적으로 결정할 수 있는 것은 연구자들이 내부적으로 재현가능한 풍부화 수준에 대한 그들의 주의 및 데이터 분석에 초점을 맞추고, 그에 의해 가양성 변이체를 선택하거나 무효한 결론을 도출하는 것을 회피하는 것을 허용한다.

[0339] 따라서, 특정 조직에 대한 단지 가장 높은 풍부화된 변이체에 흥미가 있는 경우, 바이러스 라이브러리에 대한 풍부화 정규화와 결합된 PCR 풀 디자인은 생체내 선택의 하위세트 (예컨대 Tek-Cre 또는 SNAP-Cre)에 대한 선택의 하나의 추가의 라운드에 비해 합성 풀 디자인과 대폭 상이하지 않을 수 있다. 그러나, 추가의 확인 없이, 주어진 생체내 시스템이 Tek-Cre과 유사하게 수행할 것인지 여부를 예측하는 것은 곤란하다. 이는 표적-특이적 변이체가 하나의 특정 생체내 선택에서 가장 높은 풍부화를 얻지 않을 수 있는 멀티플렉스화 선택 연구에서 중요하게 된다.

[0340] **실시예 5. 라운드-2 선택 후의 AAV 캡시드 라이브러리의 분석**

[0341] DNA 라이브러리의 AA 분포는 올리고풀 디자인을 가깝게 매칭시킨 반면, 바이러스 생산은 위치 2에 Asn (N), 위치 4에 β-분기된 AA (I, T, V), 및 위치 5에 양으로 하전된 AA (K, R)를 갖는 모티프에 대해 선택하였다 (도 10, 52). BBB 횡단에 대한 적합성은 매우 상이한 패턴을 발생시켰다. R2 바이러스 라이브러리와 비교하여, 고도로 풍부화된 변이체는 선호도, 예를 들어, 위치 5에서 프롤린 (P), 및 위치 6에서 페닐알라닌 (F)을 공유한다.

[0342] 이어서 모든 말초 기관에 걸쳐 뇌로부터의 양성으로 풍부화된 변이체의 분포를 결정하였다 (도 11, 좌측). 뇌에서 고도로 풍부화된 약 60개의 변이체는 모든 다른 기관에 걸쳐 비교적 고갈된다 (도 11, 중간). 스파이크-인 대조군 변이체 (AAV9, PHP.B, PHP.eB)의 예상된 거동에 의해 고무되어, 선택이 PCR 풀 또는 CREATE에 기반한 경우 간과되었을 몇몇을 포함한 11개의 신규한 변이체를 추가의 확인을 위해 선택하였다 (도 11, 우측) (표 8).

[0343] 표 8: 방법에 걸친 AAV-PHP 캡시드의 순위화. *합성 풀* 풍부화 점수 (M-CREATE를 나타냄), *PCR 풀* 풍부화 점수 (M-CREATE에 보다 가까움을 나타냄), 또는 *PCR 풀* 리드 카운트 (CREATE를 나타냄)에 의한 R2 Tek-Cre 선택으로부터 회수된 모든 캡시드 중에서 선택된 변이체의 순위, 이의 가장 높은 순위는 1로부터 시작하고, "회수되지 않음"은 R2 시퀀싱 데이터로부터의 변이체의 부재를 나타낸다.

AAV 변이체	*합성 풀* 풍부화 순위	*PCR 풀* 풍부화 순위	*PCR 풀* 리드 카운트 순위
PHP.V1	1	4	3
PHP.V2	2	1	1
PHP.B4	4	10	56
PHP.B7	6	13	36
PHP.B8	3	7	23
PHP.C1	13	34	74
PHP.C2	12	20	293
PHP.C3	16	회수되지 않음	회수되지 않음

[0344]

[0345] 이들 변이체는 그들의 풍부화 및 이들이 서열 공간에서 어디에 해당하는지에 기인하여 선택되었다. 양성으로 풍부화된 변이체는 서열 유사성에 기반하여 별개의 패밀리 내로 클러스터링하는 것으로 밝혀졌다. 상기 논의된 열지도와 일치하게, 가장 풍부화된 변이체는 공통 모티프를 공유하는 선택에 걸쳐 별개의 패밀리를 형성한다: 위치 1에서 T, 위치 2에서 L, 위치 5에서 P, 위치 6에서 F, 및 위치 7에서 K 또는 L (도 12, 53). 이 AA 패턴은 이전에 확인된 변이체, AAV-PHP.B - TLAVPFK를 가깝게 닮았다. 구성원 중에서의 서열 유사성을 고려하여, 본 발명자들은 이들이 유사하게 BBB를 횡단하고 중추 신경계를 표적화할 수 있다고 예측하였다.

[0346] 완전히 독립적으로 구축되고 선택된 라이브러리로부터 AAV-PHP.B 서열 패밀리를 2배 회수하는 능력은 바이러스 라이브러리의 서열 공간 커버리지가 공통 모티프를 공유하는 변이체의 패밀리를 회수하는데 충분히 넓었음을 확인시켜 준다. 단지 하나의 변이체, AAV-PHP.B를 확인한 CREATE와는 달리, M-CREATE는 이 모티프의 중요한 화학적 특색을 암시하는 다양한 PHP.B-유사 패밀리를 산출하였다. 이 패밀리 내의 서열 다양성은 AAV-PHP.B를 단리하는 것이 이전의 실험에서 단순히 좋은 운이 아니었음과 (~13억의 이론적 출발 라이브러리 크기를 고려함), 이것이 이 특정 실험에 대한 우세한 패밀리임을 시사한다.

[0347] **실시예 6. 라운드-2 선택으로부터의 캡시드 회수는 증진된 BBB 진입 및 CNS 형질도입을 갖는 AAV9 변이체의 풀을 산출한다**

[0348] 이 특정 선택에서의 PHP.B-패밀리의 우세함을 고려하여, 가장 풍부화된 구성원을 시험하였다: 이후 AAV-PHP.V1로 지칭되는 TALKPFL (도 12 및 13). 다소 놀랍게도 AAV.PHP.B에 대한 그의 서열 유사성을 고려하여, AAV-PHP.V1의 향성은 뇌 혈관 세포을 형질도입하는 것을 향해 편향된다 (도 14, 54). 정맥내로 전달되는 경우, 편재적 CAG 프로모터의 제어 하에서 형광 리포터를 운반하는 AAV-PHP.V1은 AAV-PHP.eB로의 ~20% 및 AAV9로의 거의 형질도입 없음에 비해 $GLUT1^{+}$ 피질 뇌 혈관구조의 ~60%를 형질도입한다 (도 14 및 16). 혈관구조에 추가로, AAV-PHP.V1은 또한 피질 $S100^{+}$ 성상세포의 ~60%를 형질도입하였다 (도 17). 그러나, AAV-PHP.V1은 이전에 보고된 AAV-PHP.eB만큼 성상세포 형질도입에 대해 효율적이지 않다 (성상세포 특이적 GfABC1D 프로모터로 패키징된 경우, 도 55).

[0349] 정맥내 전달을 통한 내피 세포-제한된 형질도입을 요구하는 적용을 위해, AAV-PHP.V1 벡터는 3가지 상이한 시스템에 사용될 수 있다: (1) Cre-의존성 발현 벡터를 갖는 내피 세포-유형 특이적 Tek-Cre 마우스에서 (도 15 (좌측) 및 도 18), (2) Cre가 내피 세포-유형 특이적 미니프로모터 (Ple261)로 전달되는 형광 리포터 마우스에서 (도 15 (우측) 및 도 19 및 56 내지 도 58의 좌측 칼럼), 및 (3) 편재적 프로모터를 함유하는 자기-상보적 게놈 (scAAV)을 패키징함으로써 야생형 마우스에서 (도 58의 우측 칼럼). scAAV 게놈을 사용한 AAV-PHP.V1에 의한 내피 세포-특이적 형질도입의 메커니즘은 불명확하지만, scAAV 게놈을 패키징하는 경우 벡터 향성의 이동은 또다른 캡시드에 대해 보고되었다.

[0350] AAV-PHP.V1 및 AAV-PHP.B/eB 사이의 향성의 극적인 차이를 고려하여, 본 발명자들은 PHP.B-유사 패밀리 내의 몇몇 추가의 변이체를 시험하였다. AAV-PHP.V1과 단지 하나의 AA에 의해 상이한 한 변이체, AAV-PHP.V2 - TTLKPFL은 유사한 향성을 갖는다 (도 59 내지 61). AAV-PHP.V2는 모든 뇌 라이브러리에 걸쳐 R1 선택에서 높은 풍부도로 발견되었으며, R2에서 고도로 풍부화되었다 (도 4, 11 (우측 패널), 12, 13, 및 40). 그의 서열 유사성을 고려하여, 유사한 향성이 AAV-PHP.V1의 그것에 대해 예상되었다. 이는 C57BL/6J 성체 마우스 (ssAAV-PHP.V2:CAG-mNeongreen 게놈, 성체 마우스당 $3x10^{11}$ vg 용량, n = 3, 도 59)에서, Tek-Cre 마우스 (ssAAV-PHP.V2:CAG-DIO-EYFP 게놈, 성체 마우스당 $1x10^{12}$ vg 용량, n = 2, 도 60)에서, 및 GFAP-Cre 마우스 (ssAAV-PHP.V2:CAG-DIO-EYFP, 성체 마우스당 $1x10^{12}$ vg 용량, n = 2, 도 61)에서 생체내에서 확인되었다.

[0351] AAV.PHP.V1 및 AAV.PHP.B 둘 다로부터 대략 동등한 편차의 서열을 갖는 3가지 다른 변이체, AAV-PHP.B4 - TLQIPFK, AAV-PHP.B7 - SIERPFK, 및 AAV-PHP.B8 - TMQKPFI (도 12, 13, 20, 및 21)는 뉴런 및 성상세포를 향한 편향된 형질도입을 갖는 PHP.B-유사 향성을 갖는다 (도 21 및 62 내지 64). 스파이크-인 라이브러리 중에서 유사한 변이체, AAV-PHP.B5 - TLQLPFK 및 AAV-PHP.B6 - TLQQPFK는 또한 이 향성을 공유하였다 (도 13, 20, 21, 및 62).

[0352] 스파이크-인 라이브러리의 성능을 평가하기 위해, 3-mer-s PHP.B 라이브러리에서 이전에 확인되었지만 생체내에서 결코 확인되지 않은 서열 공간에 유사하게 정치된 2가지 고도로 풍부화된 변이체를 선택하였다: AAV-PHP.B6 - TLQLPFK 및 AAV-PHP.B7 - TLQQPFK (도 48 (중간 패널), 및 53). C57BL/6J 성체 마우스에서 $1x10^{11}$ vg의 보통

의 용량에서, 이들 변이체는 또한 PHP.B-유사 향성을 나타낸다 (도 20 내지 21 및 62).

[0353] 이어서 이 패밀리 외부의 M-CREATE의 예측력을 확인하기 위해 선택된 일련의 변이체를 조사하였다: (1) 완전히 비관련된 서열을 갖는 고도로 풍부화된 변이체, AAV-PHP.C1 - RYQGDSV (도 12, 13, 20, 및 21)는 B-패밀리로부터의 다른 시험된 변이체에 비해 유사한 효율로 성상세포 및 더 낮은 효율로 뉴런을 형질도입하였다 (도 21). (2) R2 *합성 풀* 바이러스 라이브러리에서 높은 풍부도로 발견되고 뇌에서 음성으로 풍부화된 2가지 변이체 (일치하게 둘 다의 코돈 복제물을 가짐), AAV-PHP.X1 - ARQMDLS 및 AAV-PHP.X2 - TNKVGNI (도 46, 우측)는 CNS를 불량하게 형질도입하였다 (도 63). (3) *PCR 풀* R2로부터 뇌 라이브러리에서 보다 높은 풍부도로 발견된 2가지 변이체, AAV-PHP.X3 - QNVTKGV 및 AAV-PHP.X4 - LNAIKNI는 또한 뇌에서 AAV9를 능가하는데 실패하였다 (도 65).

[0354] 집합적으로, 이들 AAV 변이체의 특징규명은 몇몇 핵심점을 입증한다. 첫째, 다양한 서열 패밀리 내에서, 기능적 중복성 및 신규한 향성의 출현 둘 다에 대한 여지가 있다. 둘째, 우성 패밀리 외부의 고도로 풍부화된 서열은 또한 증진된 기능을 가질 가능성이 있다. 셋째, 합성 풀에서 코돈 복제물 일치에 의해 들떠서, 조직에 걸친 변이체의 풍부화는 예측적일 수 있다. 넷째, *합성 풀* R2 라이브러리는 *PCR 풀* R2에 있는 서열의 하위세트를 함유하고, 그에 의해 일부 증진된 변이체를 결여할 수 있지만, 배제된 *PCR 풀* 집단은 가양성에서 풍부화된다.

[0355] 마우스에 걸쳐 18,000개의 변이체의 풀로부터 생체내 형질도입을 확신적으로 예측하는 능력은 선택 과정에서 유의한 진보이며, 개별적 벡터의 진화를 위한 M-CREATE의 힘을 입증한다.

[0356] **실시예 7: AAV.PHP.eB를 산출한 캡시드 선택의 재-조사는 뉴런을 특이적으로 형질도입하는 변이체를 밝혀낸다**

[0357] NGS를 사용하여, AAV-PHP.eB를 산출한 이전의 CREATE 방법론[27]에 의해 생성된 *3-mer-s (s-치환)* PHP.B 라이브러리를 재조사하였다 (도 24). 뇌 라이브러리를 Cre-의존성 PCR 및 및 야생형 마우스로부터의 R2 간 라이브러리 (Cre-매개 역전과 무관하게 모든 캡시드 서열에 대해 PCR을 통해 프로세싱됨)를 사용하여 딥 시퀀싱하고, 뇌 조직에서 150 내지 200개의 양성으로 풍부화된 캡시드를 확인하였다 (도 25, 66, 및 67). 간략하게, 재-조사된 3-mer-s PHP.B 라이브러리는 3개의 연속적 AA의 부분에서 AAV-PHP.B 캡시드의 위치 587-597 (AAV9 상의 587-590 AA의 등가물)을 다양화하였다 (~40,000개의 총 변이체) (도 24). 선택을 3가지 Cre-트랜스제닉 라인에서 수행하였다: 글루타메이트성 뉴런에 대해 Vglut2-IRES-Cre, GABA작동성 뉴런에 대해 Vgat-IRES-Cre, 및 성상세포에 대해 GFAP-Cre.

[0358] 뇌에서 양성으로 풍부화되고 간에서 음성으로 풍부화된 변이체는 특정 AA를 향한 유의한 편향을 나타낸다: 위치 1에서 G, D, E; 위치 2에서 G, S (AAV-PHP.eB 모티프, DG를 포함함); 및 위치 9, 10, 11에서 S, N, P (도 26 및 68). 뇌에서 양성으로 풍부화된 변이체를 그들의 서열 유사성에 따라 클러스터링하고, 간에서는 그들의 음성 풍부화에 의해 순위화하였다 (클러스터에서의 노드 크기에 의해 나타내어짐). PHP.B 백본 상의 위치 9 내지 11에서 공통 모티프 "SNP"를 갖는 N으로 지칭되는 별개의 패밀리가 출현하였다 (도 27 및 69).

[0359] N-패밀리 클러스터의 코어 변이체: AQTLAVPFSNP는 R1 및 R2 선택에서 높은 풍부도로 발견되었고, GFAP에 비해 Vglut2 및 Vgat 뇌 조직에서 더 높은 풍부화 점수를 가졌으며, 간 조직에서 음성 풍부화를 가졌다 (도 25 및 66 내지 69). AAV-PHP.eB와는 달리, 이 변이체 (AAV-PHP.N)는 심지어 편재적 CAG 프로모터로 패키징된 경우에도 $NeuN^+$ 뉴런을 특이적으로 형질도입하였지만, 형질도입 효율은 뇌 영역에 걸쳐 다양하였다 ($VGLUT1^+$ 흥분성 및 $GAD1^+$ 억제성 뉴런 둘 다를 포함한 $NeuN^+$ 뉴런에서 ~10 내지 70%, 도 28, 29, 70, 및 71).

[0360] 따라서, *3-mer-s* 라이브러리를 재-검사함으로써, 주목할 만한 세포-유형-특이적 향성을 갖는 것을 포함한 몇몇 신규한 변이체를 확인하였다. Vglut2-Cre 및 Vgat-Cre 마우스를 생체내 선택에 사용하였지만, NGS 데이터세트 상의 초기 조사로부터 흥분성 및 억제성 집단의 뉴런 하위유형-특이적 형질도입에 대한 변이체는 두드러지지 않았다. 이 (엄격한) 선택에 대한 생물학적 해결책은 라이브러리에 존재하지 않았음이 가능하다.

[0361] **실시예 8. C57BL/6J 마우스 계통 너머의 캡시드 패밀리의 조사**

[0362] AAV-PHP.eB의 증진된 CNS 향성은 마우스 계통의 하위세트에 부재한다. 이는 C57BL/6J, FVB/NCr1, DBA/2, 및 SJL/J에서 고도로 효율적이고, 129S1/SvimJ에서 중간 증진을 갖고, BALB/cJ 및 몇몇 추가의 계통에서 증진을 갖지 않는다. 이 패턴은 PHP.B 패밀리로부터의 2가지 새롭게 확인된 변이체, AAV-PHP.V1 및 AAV-PHP.N에 대해 유지되며 (도 30, 표 9), 이는 BALB/cJ에서 CNS를 형질도입하지 않았지만, FVB/NJ 계통을 형질도입하였다 (도 31). 그러나, AAV-PHP.V1은 인간 뇌 미세혈관 내피 세포 (HBMEC) 배양물을 형질도입하여, AAV9 및 AAV-PHP.eB

에 비해 증가된 평균 형광 강도를 발생시켰으며 (도 72), 이는 기계론적 복잡성에 대한 잠재성을 시사한다.

[0363] 표 9: CREATE 및 M-CREATE에 의해 확인된 AAV-PHP 벡터. 표는 CREATE 및 M-CREATE를 사용하여 지금까지 확인된 변이체의 요약을, 그들의 향성 및 그들의 발견에 관여한 모체 캡시드로부터의 진화 단계와 함께 제공한다.

AAV 변이체	참고문헌 / 선택 방법	향성	생산	모체 캡시드로부터의 진화의 라운드
PHP.B, B2, B3	Deverman et al, 2016 / CREATE	폭넓은 CNS 형질도입	우수함	AAV9로부터의 1 라운드
PHP.A	Deverman et al, 2016 / CREATE	성상세포 형질도입	불량함; 4ºC에서 저장시 침전하는 경향이 있음.	AAV9로부터의 1 라운드
PHP.eB	Chan et al, 2017 / CREATE	증진된 폭넓은 CNS 형질도입	우수함	AAV9로부터의 2 라운드 또는 PHP.B로부터의 1 라운드
PHP.S	Chan et al, 2017 / CREATE	감각 뉴런 형질도입	우수함	AAV9로부터의 1 라운드
PHP.V1, V2	본 연구 / M-CREATE	BBB 혈관 세포 및 성상세포 형질도입	우수함	AAV9로부터의 1 라운드
PHP.B4, B7, B8,	본 연구 / M-CREATE	폭넓은 CNS 형질도입	우수함	AAV9로부터의 1 라운드
PHP.B5, B6	본 연구 / M-CREATE 및 CREATE	폭넓은 CNS 형질도입	우수함	AAV9로부터의 2 라운드 또는 PHP.B로부터의

[0364]

				1 라운드
PHP.C1, C2, C3	본 연구 / M-CREATE	마우스 계통에 걸친 폭넓은 CNS 형질도입	우수함; PHP.C1은 4ºC에서 저장시 침전하는 경향이 있음.	AAV9로부터의 1 라운드
PHP.N	본 연구 / M-CREATE 및 CREATE	뉴런 형질도입	평균	AAV9로부터의 2 라운드 또는 PHP.B로부터의 1 라운드

[0365]

[0366] 중요하게는, M-CREATE는 CNS에서 세포의 형질도입을 위한 선택을 통해 풍부화된 많은 비-PHP.B-유사 서열 패밀

리를 밝혀내었다. 본 발명자들은 이전에 언급된 AAV-PHP.C1: RYQGDSV, 뿐만 아니라 AAV-PHP.C2: WSTNAGY, 및 AAV-PHP.C3: ERVGFAQ를 시험하였다 (도 30). 이들은 마우스 계통과 무관하게 증진된 BBB 횡단을 나타내었으며, BALB/cJ 및 C57BL/6J에서 대략 동등한 CNS 형질도입을 가졌다 (도 32 및 73). 집합적으로, 이들 예비 연구는 M-CREATE가 계통-특이성을 결여한 BBB 진입의 다양한 메커니즘을 갖는 캡시드 변이체를 발견할 수 있음을 시사한다.

[0367] **실시예 8. 변이체 AAV 캡시드 단백질 서열의 예시적인 삽입**

[0368] AAV 캡시드에서의 7 아미노산 펩티드 삽입의 입증: 펩티드 서열 "TLQIPFK" (서열식별번호: 435)은 AAV 캡시드의 AA 588-589 사이에 위치한다. 삽입 서열은 밑줄 및 **볼드체**이다.

MAADGYLPDWLEDNLSEGIREWWALKPGAPQPKANQQHQDNARGLVLPGYKYLGPG
NGLDKGEPVNAADAAALEHDKAYDQQLKAGDNPYLKYNHADAEFQERLKEDTSFGG
NLGRAVFQAKKRLLEPLGLVEEAAKTAPGKKRPVEQSPQEPDSSAGIGKSGAQPAKKRL
NFGQTGDTESVPDPQPIGEPPAAPSGVGSLTMASGGGAPVADNNEGADGVGSSSGNWH
CDSQWLGDRVITTSTRTWALPTYNNHLYKQISNSTSGGSSNDNAYFGYSTPWGYFDFN
RFHCHFSPRDWQRLINNNWGFRPKRLNFKLFNIQVKEVTDNNGVKTIANNLTSTVQVFT
DSDYQLPYVLGSAHEGCLPPFPADVFMIPQYGYLTLNDGSQAVGRSSFYCLEYFPSQML
RTGNNFQFSYEFENVPFHSSYAHSQSLDRLMNPLIDQYLYYLSRTINGSGQNQQTLKFSV
AGPSNMAVQGRNYIPGPSYRQQRVSTTVTQNNNSEFAWPGASSWALNGRNSLMNPGP
AMASHKEGEDRFFPLSGSLIFGKQGTGRDNVDADKVMITNEEEIKTTNPVATESYGQVA
TNHQSAQ**TLQIPFK**AQAQTGWVQNQGILPGMVWQDRDVYLQGPIWAKIPHTDGNFHP
SPLMGGFGMKHPPPQILIKNTPVPADPPTAFNKDKLNSFITQYSTGQVSVEIEWELQKEN
SKRWNPEIQYTSNYYKSNNVEFAVNTEGVYSEPRPIGTRYLTRNL

[0369]

[0370] AAV 캡시드에서의 11 아미노산 펩티드 삽입의 입증:

[0371] 펩티드 서열 "DGTTLKPFLAQ" (서열식별: 867)는 AAV 캡시드의 AA 587- 590을 대체함으로써 위치한다. 삽입된 서열은 밑줄 및 강조된다.

MAADGYLPDWLEDNLSEGIREWWALKPGAPQPKANQQHQDNARGLVLPGY
KYLGPGNGLDKGEPVNAADAAALEHDKAYDQQLKAGDNPYLKYNHADAEFQERLKE
DTSFGGNLGRAVFQAKKRLLEPLGLVEEAAKTAPGKKRPVEQSPQEPDSSAGIGKSGAQ
PAKKRLNFGQTGDTESVPDPQPIGEPPAAPSGVGSLTMASGGGAPVADNNEGADGVGSS
SGNWHCDSQWLGDRVITTSTRTWALPTYNNHLYKQISNSTSGGSSNDNAYFGYSTPWG
YFDFNRFHCHFSPRDWQRLINNNWGFRPKRLNFKLFNIQVKEVTDNNGVKTIANNLTST
VQVFTDSDYQLPYVLGSAHEGCLPPFPADVFMIPQYGYLTLNDGSQAVGRSSFYCLEYF
PSQMLRTGNNFQFSYEFENVPFHSSYAHSQSLDRLMNPLIDQYLYYLSRTINGSGQNQQ
TLKFSVAGPSNMAVQGRNYIPGPSYRQQRVSTTVTQNNNSEFAWPGASSWALNGRNSL
MNPGPAMASHKEGEDRFFPLSGSLIFGKQGTGRDNVDADKVMITNEEEIKTTNPVATES
YGQVATNHQS**DGTTLKPFLAQ**AQTGWVQNQGILPGMVWQDRDVYLQGPIWAKIPHT
DGNFHPSPLMGGFGMKHPPPQILIKNTPVPADPPTAFNKDKLNSFITQYSTGQVSVEIEW
ELQKENSKRWNPEIQYTSNYYKSNNVEFAVNTEGVYSEPRPIGTRYLTRNL.

[0372]

[0373] **실시예 9. 헌팅톤병 (HD)의 치료**

[0374] 헌팅톤병을 갖는 대상체를 확인한다. 이어서 대상체를 헌팅틴 (HTT) 유전자의 전사를 억제하도록 조작된 아연 핑거 단백질 (ZFP)을 코딩하는 폴리뉴클레오티드를 포함하는 바이러스 벡터의 제1 양으로 전신적으로 투여한다. 벡터는 다른 기관 중에서, 신경계에의 ZFP의 적절한 표적화를 허용하도록, **도 33**에 제공된 또는 **표 2 내지 4**에 제공된 아미노산 서열을 갖는 변형된 AAV 캡시드 단백질에 의해 캡시드화될 것이다. 필요에 따라, 대상체는 ZFP의 치료 유효량이 신경계에서 대상체에서 발현될 때까지, 벡터의 제2 또는 제3 용량이 투여된다.

[0375] **실시예 10. 1A상 임상 시험**

[0376] 후기 헌팅톤병 (HD)을 갖는 대상체에서, **도 33** 또는 **표 2 내지 4**에 제공된 임의의 아미노산 서열을 갖는 변형된 캡시드 단백질에 의해 캡시드화된 바이러스 벡터를 포함하는 시험 조성물의 1회 정맥내 주사의 안전성, 내약성, 약동학, 및 약역학을 평가하기 위한 1A상 임상 시험을 수행한다. 적격 대상체는 21세 내지 65세의 남성 및 여성이다.

[0377] **포함 기준:** 적격 대상체는 21세 내지 65세의 남성 및 여성이다. (i) 기능, 장애 및 건강의 국제 분류 (ICF)의 서명 및 날짜기입에 서명 및 날짜기입한 대상체; (2) ≥ 21세 및 ≤ 65세의 남성 또는 여성 참가자; (3) 40 이상 및 50 이하의, 염색체 4 상에 다수의 CAG 반복부를 갖는 헌팅톤병을 증명하는 의학적 보고 (PCR)를 제출하는 참가자 (참가자가 검사를 수행하지 않은 경우 및/또는 그가 이용가능한 보고를 갖지 않는 경우, 새로운 검사가 수행되어야 한다); (4) 등록 시 운동 평가 UHDRS 스케일 (통일된 헌팅톤병 등급화 스케일)에서 점수 5 점 이상; (5) 등록 시 UHDRS 스케일의 기능적 능력에서 8 내지 11점의 점수.

[0378] **배제 기준:** (1) 의학 연구가 연구에서의 등록의 경우 대상체에 대한 위험으로서 판단한 임의의 의학적 관찰 데이터 (임상적 및 물리적); (2) 의학 연구가 연구에서의 등록의 경우 대상체에 대한 위험으로서 판단한 임의의 실험실 검사 데이터; (4) 간질의 내력; (5) 주요 인지 손상의 진단; (6) 활동성 비대상성 정신 질환; (7) 신생물의 현재 또는 이전의 내력; (8) 위장, 간, 신장, 내분비, 폐, 혈액, 면역, 대사 병리학 또는 중증 및 비제어된 심혈관 질환의 현재 내력; (8) 바이러스성, 박테리아성, 진균성, 또는 또 다른 병원체에 의해 유발된 임의의 활동성 감염의 진단; (9) 이 연구에서 수행된 임의의 시험을 겪는데 금기를 갖는, 예를 들어, 심박조율기 또는 외과적 클립을 갖는 참가자; (10) 알콜의 내력 또는 불법 약물 남용자; (11) 방문 V-4 전 2년에서 자살시도의 1회 이상의 에피소드의 내력; (12) 능동적 흡연자 또는 등록 전 6개월 미만에 금연함; (13) 혈청학적 시험 중 적어도 하 나에서 시험 양성: HIV 1 및 2 (항-HIV-1,2), HTLV I 및 II, HBV (HBsAg, 항-HBc), HCV (항-HCV-Ab) 및 VDRL (트레포네마 팔리둠(Treponema pallidum)); (14) 영상화를 위한 조영제, 또는 소 생산물을 포함한 약물 알레르기의 내력; (15) 임상시험용 산물의 제1 투여 후 최초 3개월 동안 면역억제 약물 또는 금지된 의약의 사용 또는 예상되는 사용; (16) 의학 연구자에 의해 참가자의 등록에 대한 위험으로서 해석되는 임의의 임상적 변화.

[0379] **실험용:**

[0380] 위약. 제0주에 위약의 1회 주사.

[0381] 시험 고 용량. 제0주에 시험 조성물 2 x 10^10 vg의 1회 주사.

[0382] 시험 중간 용량. 제0주에 시험 조성물 6 x 10^9 vg의 1회 주사.

[0383] 시험 저 용량. 제0주에 시험 조성물 2x 10^9 vg의 1회 주사.

[0384] 시험 최저 용량. 제0주에 시험 조성물 2 x 10^8 vg의 1회 주사.

[0385] **1차 결과 척도:** 주기적 모니터링에 의한 시험 조성물의 안전성은 유해 사건, 활력 징후, 실험실 시험, ECG 및 양성 및 악성 신생물의 발생에서 변화한다 [기간: 5년]. 임상시험용 산물의 안전성은 (1) 유형, 빈도, 강도, 심각성, 중증도, 및 임상시험용 산물 연구와 관련하여 취해진 조치를 포함한 유해 사건; (2) 활력 징후 (BP, HR, 액와 체온), 신체적 및 의학적 검사 (BMI, 체중, 신장, 의학적 병태 - 심혈관, 폐, 소화, 근골격 및 말초, 신경학적 평가 및 기타에 강조를 가짐); (2) 혈액학적, 생화학적, 비뇨기과적 및 혈청학적 분석을 포함한 실험실 시험; (3) 12 유도의 심전도 (ECG); (4) 및 실험실 시험, 자기 공명 영상화, 컴퓨터 단층촬영술 및 초음파검사를 통한 하기 기관/계: CNS, 폐, 간, 비장, 췌장, 전립선, 고환, 비뇨기, 혈액 및 골격계에서의 양성 및 악성 신생물의 발생 및 분류의 변화를 모니터링하는 것을 고려하는 주기적 평가로부터 상세하게 평가될 것이다.

[0386] **2차 결과 척도:** 전반적 임상적 반응 (CIBIS) 및 UHDRS 개선에 의한 셀라비타(Cellavita) HD의 예비 효능 [기간: 5년]은 각각의 UHDRS 스케일 성분: 운동, 인지 및 행동의 결과의 통계적 비교에 의해 평가될 것이다. 전반적 임상적 반응은 셀라비타 HD 처리 전 및 후에 조사자에 의해 관찰된 기준선 점수 사이의 통계적 비교에 의해 평가될 것이다. 염증성 마커의 비교에 의한 셀라비타 HD의 예비 효능 [기간: 1년]은 IL-4, IL-6, IL-10 (인터류킨 IL) 및 TNF-알파 (종양 괴사 인자 알파)를 포함한 염증성 마커의 통계적 비교에 의해 평가될 것이다. 셀라비타 HD의 면역학적 반응 [기간: 1년]. 셀라비타 HD에 의해 유도된 면역학적 반응은 CD4+ 및 CD8+ 증식의 기준선 결과 및 다른 평가된 시간 사이의 통계적 비교에 의해 평가될 것이다. CNS 평가의 비교에 의한 셀라비타 HD의 예비 효능 [기간: 1년]은 양성자 분광법에서 확인된 미상 및 대사 변화에 특별한 주의를 기울여,

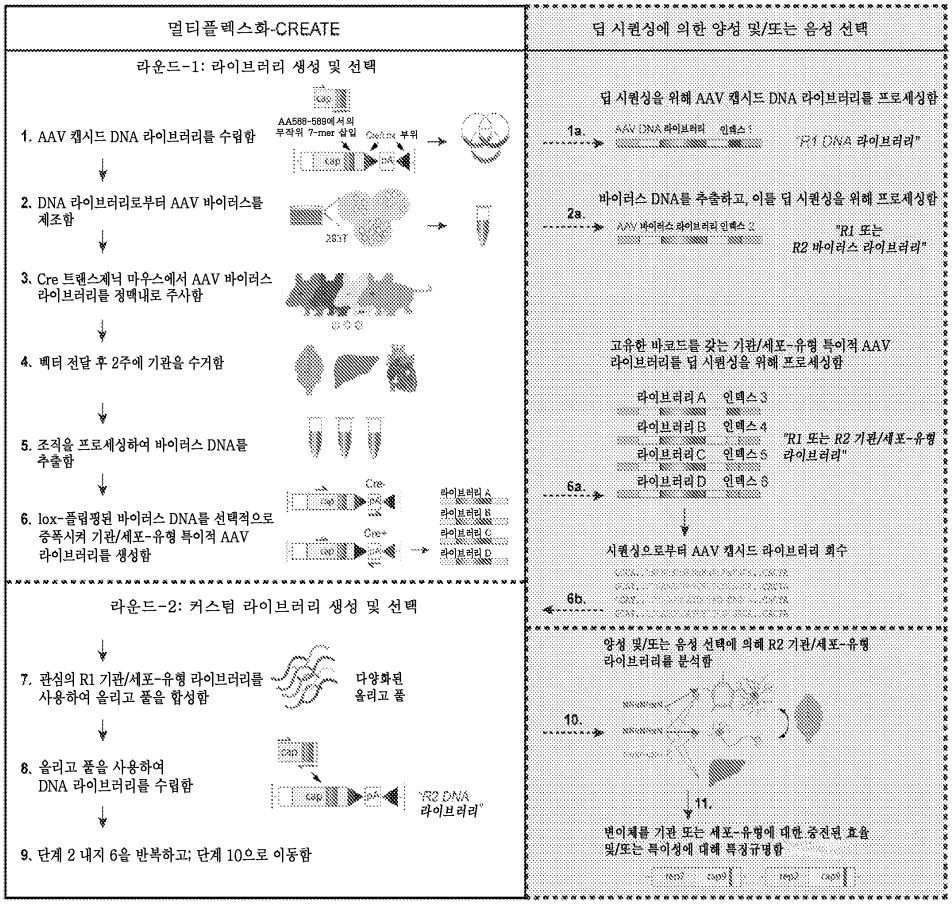
피질 두께 측정, 상이한 뇌 구조, 특히 기저핵의 부피에서의 자기 공명 영상을 통한 CNS 평가의 통계적 비교에 의해 평가될 것이다. 해밀턴 우울증 등급화 스케일 (HDRS)에 의한 자살성 사고의 위험 [기간: 5년]은 자살 영역에 의해 평가될 것이다. 분류적 구두점은 경도 우울증 (점수: 8 내지 13), 중등도 우울증 (점수: 19 내지 22) 및 중증 우울증 (점수: > 23)에 상응할 수 있다.

[0387] 본 실시예의 바람직한 사례를 본원에 나타내고 기재하였지만, 이러한 사례는 단지 예로서 제공됨이 관련 기술분야의 통상의 기술자에게 자명할 것이다. 다수의 변형, 변화, 및 치환은 이제 본 개시내용으로부터 벗어나지 않으면서 관련 기술분야의 통상의 기술자에게 일어날 것이다. 본원에 기재된 본 개시내용의 사례에 대한 다양한 대안은 본 개시내용을 실시하는데 있어서 채용될 수 있음이 이해되어야 한다. 하기 청구범위는 본 개시내용의 범주를 한정하고, 이들 청구범위의 범주 내의 방법 및 구조 및 그들의 등가물은 그에 의해 커버되는 것으로 의도된다.

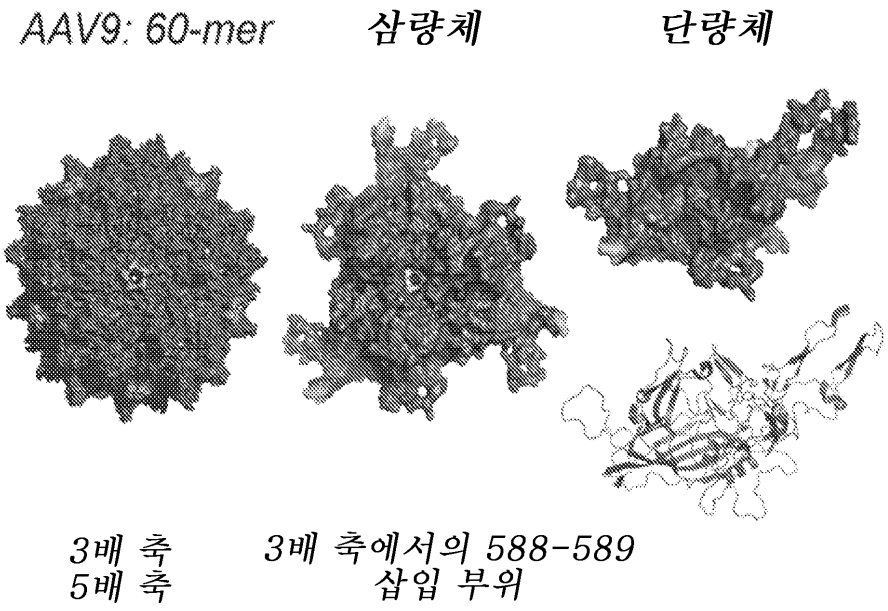
[0388] 본 발명의 바람직한 실시양태를 본원에 나타내고 기재하였지만, 이러한 실시양태는 단지 예로서 제공됨이 관련 기술분야의 통상의 기술자에게 자명할 것이다. 다수의 변형, 변화, 및 치환은 이제 본 발명으로부터 벗어나지 않으면서 관련 기술분야의 통상의 기술자에게 일어날 것이다. 본원에 기재된 본 발명의 실시양태에 대한 다양한 대안은 본 발명을 실시하는데 있어서 채용될 수 있음이 이해되어야 한다. 하기 청구범위는 본 발명의 범주를 한정하고, 이들 청구범위의 범주 내의 방법 및 구조 및 그들의 등가물은 그에 의해 커버되는 것으로 의도된다.

도면

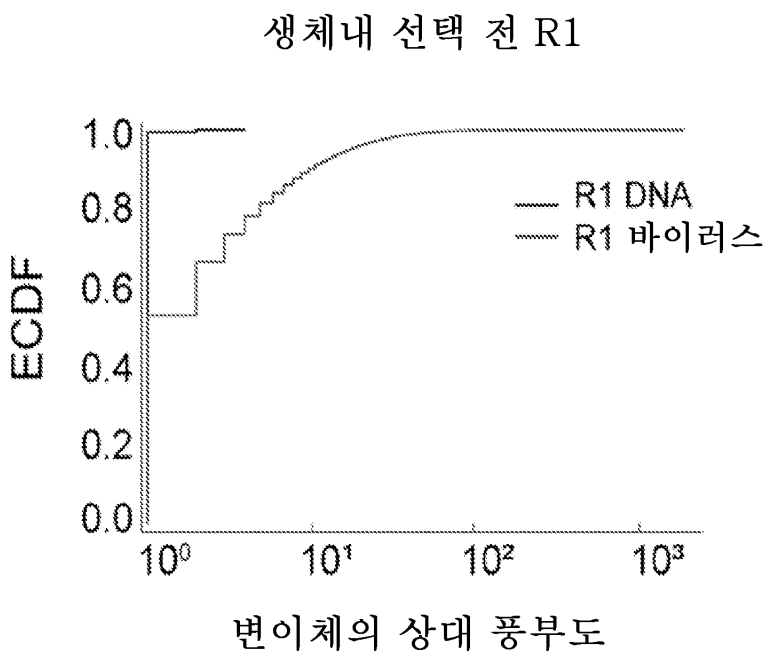
도면1



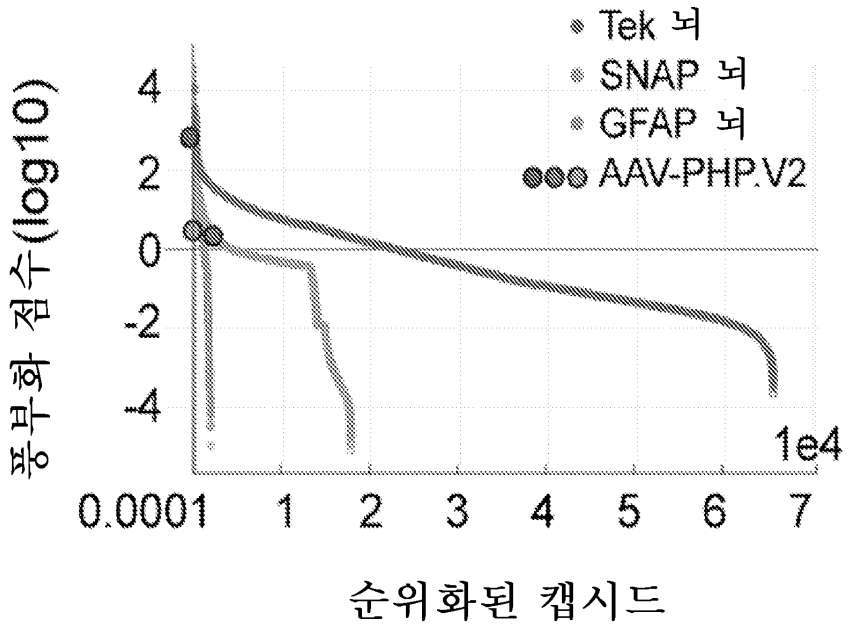
도면2


AAV9: 60-mer
삼량체
단량체
3배 축
5배 축
3배 축에서의 588-589
삽입 부위

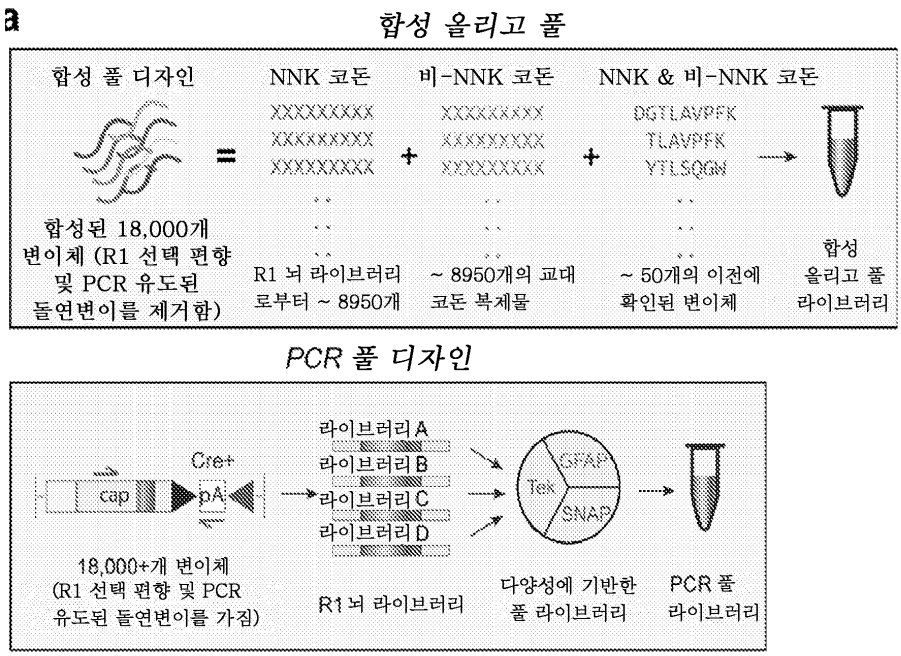
도면3


생체내 선택 전 R1
ECDF
1.0
0.8
0.6
0.4
0.2
0.0
R1 DNA
R1 바이러스
10⁰
10¹
10²
10³
변이체의 상대 풍부도

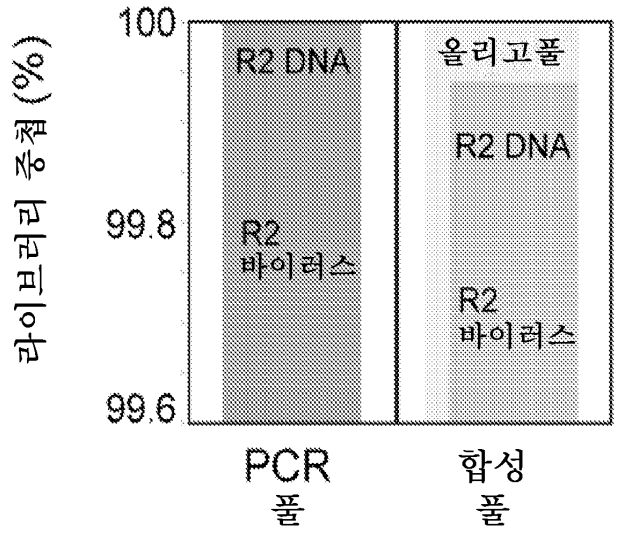
도면4


생체내 선택 후 R1
Tek 뇌
SNAP 뇌
GFAP 뇌
AAV-PHP.V2
풍부화 점수(log10)
4
2
0
-2
-4
1e4
0.0001
1
2
3
4
5
6
7
순위화된 캡시드

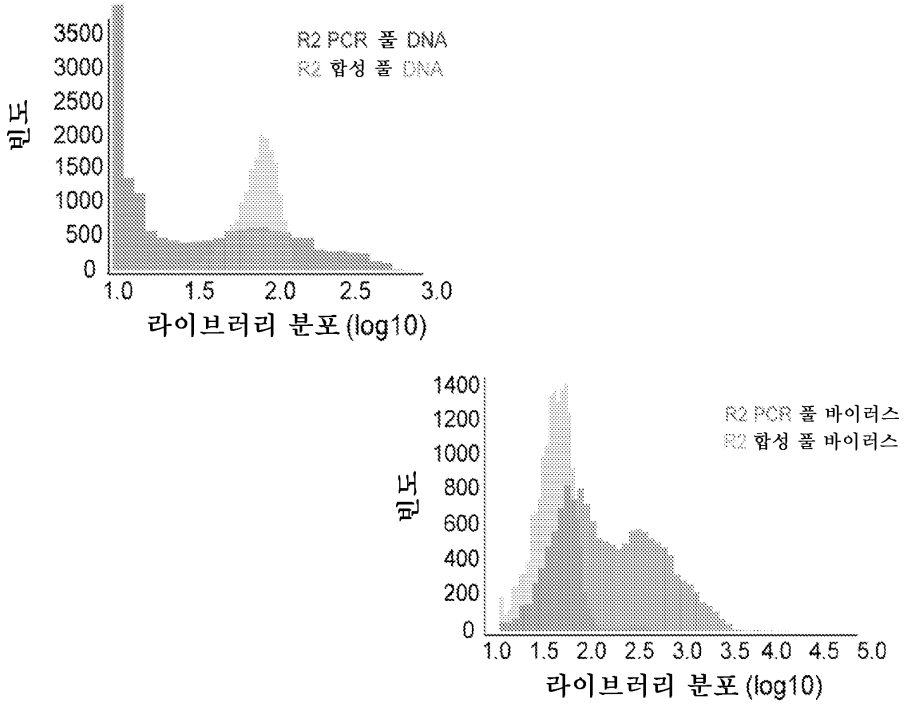
도면5


a
합성 올리고 풀
합성 풀 디자인
NNK 코돈
비-NNK 코돈
NNK & 비-NNK 코돈
XXXXXXXXX
XXXXXXXXX
XXXXXXXXX
DGTLAVPFK
TLAVPFK
YTLSQGN
합성된 18,000개 변이체 (R1 선택 편향 및 PCR 유도된 돌연변이를 제거함)
R1 뇌 라이브러리 로부터 ~ 8950개
~ 8950개의 교대 코돈 복제물
~ 50개의 이전에 확인된 변이체
합성 올리고 풀 라이브러리
PCR 풀 디자인
Cre+
cap
pA
18,000+개 변이체 (R1 선택 편향 및 PCR 유도된 돌연변이를 가짐)
라이브러리 A
라이브러리 B
라이브러리 C
라이브러리 D
R1 뇌 라이브러리
Tek
GFAP
SNAP
다양성에 기반한 풀 라이브러리
PCR 풀 라이브러리

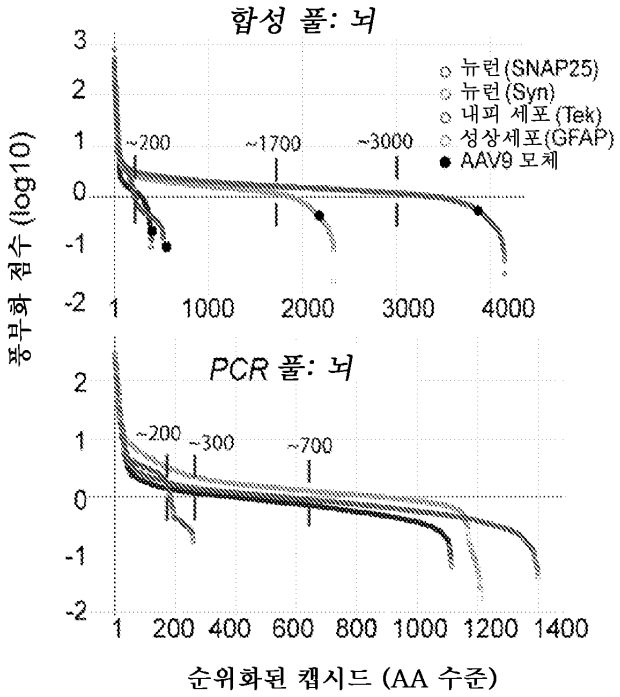
도면6


100
99.8
99.6
라이브러리 중첩 (%)
R2 DNA
R2
바이러스
올리고풀
R2 DNA
R2
바이러스
PCR
풀
합성
풀

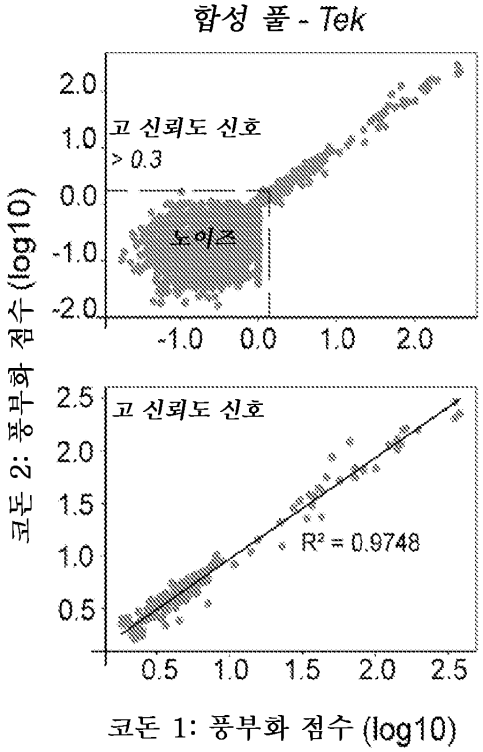
도면7


3500
3000
2500
2000
1500
1000
500
0
빈도
R2 PCR 풀 DNA
R2 합성 풀 DNA
1.0
1.5
2.0
2.5
3.0
라이브러리 분포 (log10)
1400
1200
1000
800
600
400
200
0
빈도
R2 PCR 풀 바이러스
R2 합성 풀 바이러스
1.0
1.5
2.0
2.5
3.0
3.5
4.0
4.5
5.0
라이브러리 분포 (log10)

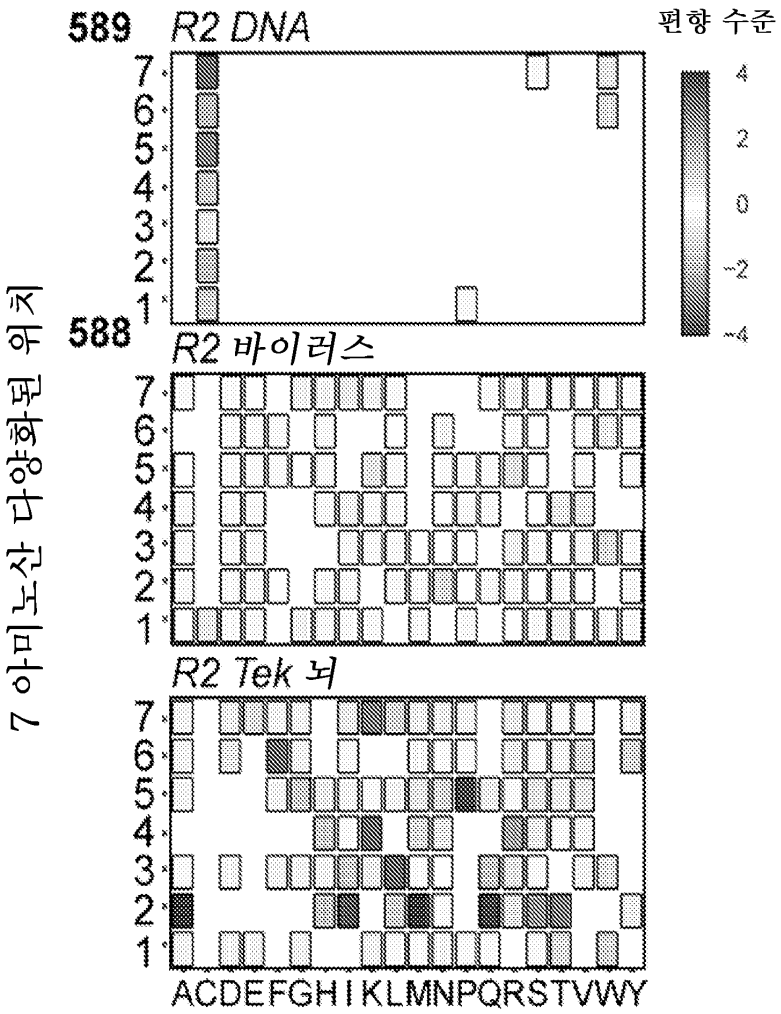
도면8


합성 풀: 뇌
뉴런(SNAP25)
뉴런(Syn)
내피 세포(Tek)
성상세포(GFAP)
AAV9 모체
~200
~1700
~3000
풍부화 점수 (log10)
PCR 풀: 뇌
~200
~300
~700
순위화된 캡시드 (AA 수준)

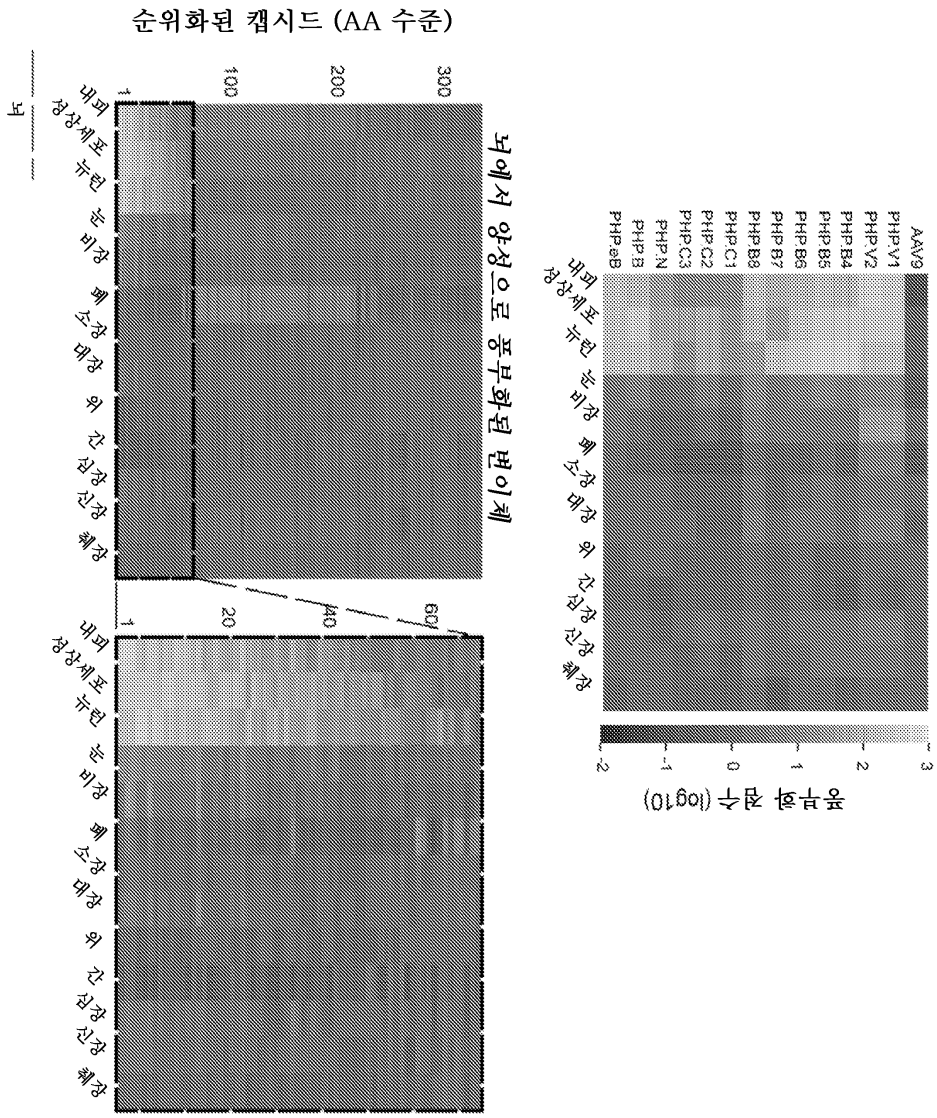
도면9


합성 풀 - Tek
고 신뢰도 신호
> 0.3
노이즈
코돈 2: 풍부화 점수 (log10)
고 신뢰도 신호
R² = 0.9748
코돈 1: 풍부화 점수 (log10)

도면10


589
R2 DNA
편향 수준
4
2
0
-2
-4
588
R2 바이러스
R2 Tek 뇌
7 아미노산 다양화된 위치
7
6
5
4
3
2
1
ACDEFGHIKLMNPQRSTVWY
아미노산 분포

도면11

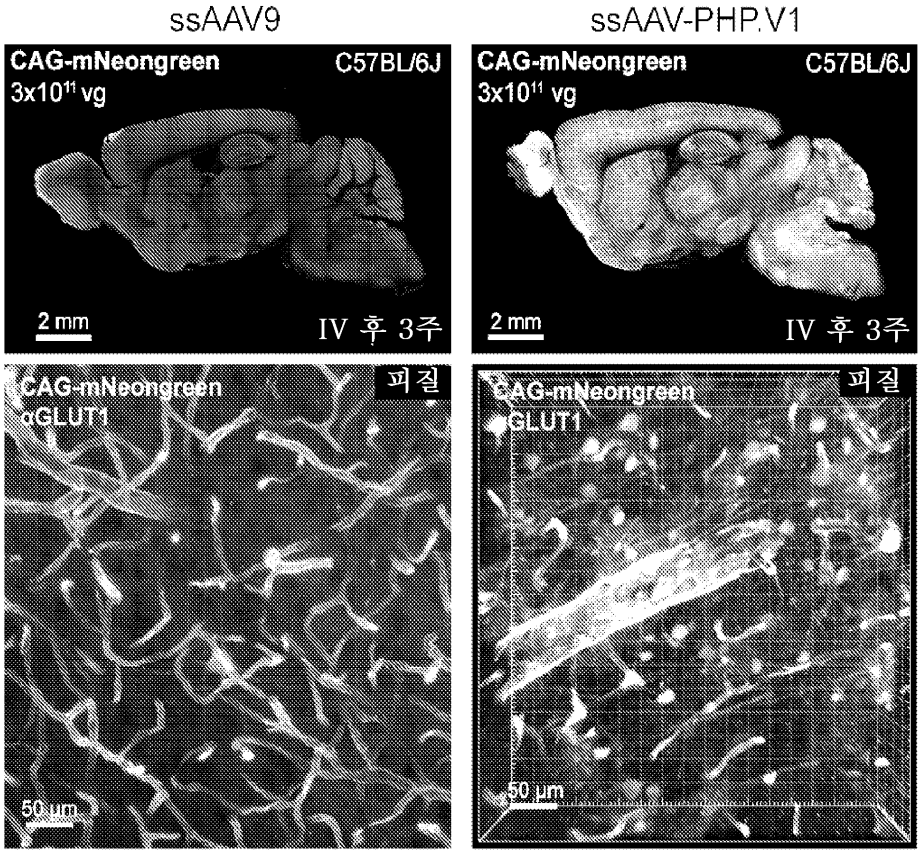

순위화된 캡시드 (AA 수준)
뇌에서 양성으로 풍부화된 변이체
뇌
비장
췌장
신장
심장
간
대장
소장
폐
비장
뉴런
척수
풍부화 점수 (log10)
AAV9
PHPV1
PHPV2
PHPB4
PHPB5
PHPB6
PHPB7
PHPB8
PHPC1
PHPC2
PHPC3
PHPN
PHPB
PHPeB

도면12

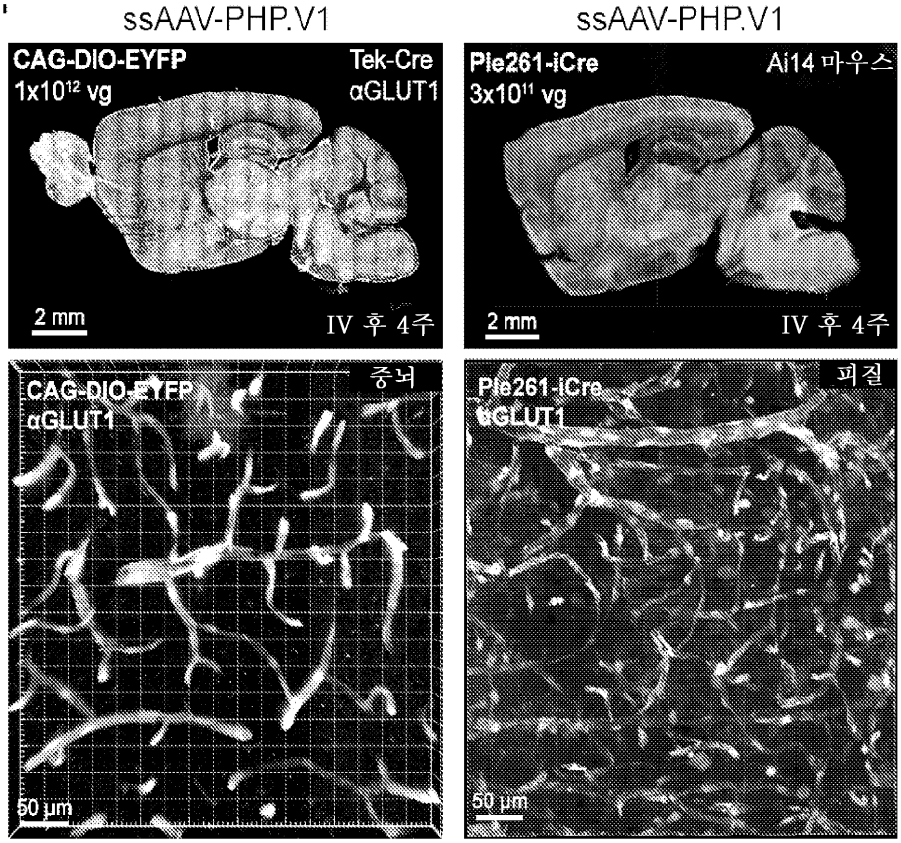
도면13


588
589
AAV9: AQ-------AQ
PHP.B: AQTLAVPFKAQ
PHP.eB: DGTLAVPFKAQ
PHP.V1: AQTALKPFLAQ
PHP.V2: AQTTLKPFLAQ
PHP.B4: AQTLQIPFKAQ
PHP.B5: AQTLQLPFKAQ
PHP.B6: AQTLQQPFKAQ
PHP.B7: AQSIERPFKAQ
PHP.B8: AQTMQKPFIAQ
PHP.C1: AQRYQGDSVAQ

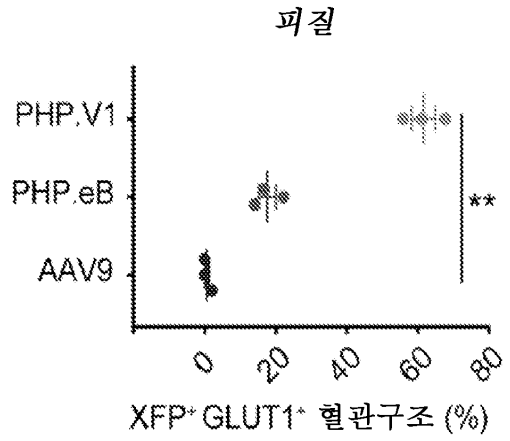
도면14


ssAAV9
ssAAV-PHP.V1
CAG-mNeongreen
C57BL/6J
3x10^11 vg
2 mm
IV 후 3주
CAG-mNeongreen
αGLUT1
피질
50 μm
CAG-mNeongreen
GLUT1
피질
50 μm

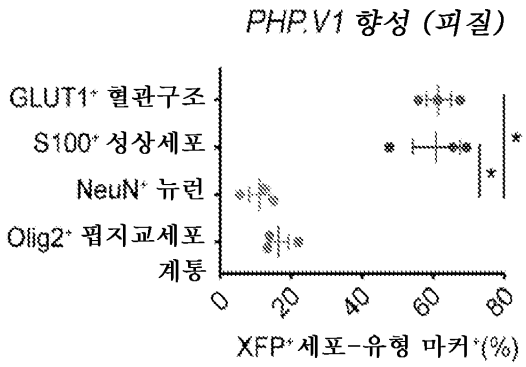
도면15


ssAAV-PHP.V1
CAG-DIO-EYFP
1x10¹² vg
Tek-Cre
αGLUT1
2 mm
IV 후 4주
ssAAV-PHP.V1
Ple261-iCre
3x10¹¹ vg
Ai14 마우스
2 mm
IV 후 4주
CAG-DIO-EYFP
αGLUT1
증뇌
50 μm
Ple261-iCre
αGLUT1
피질
50 μm

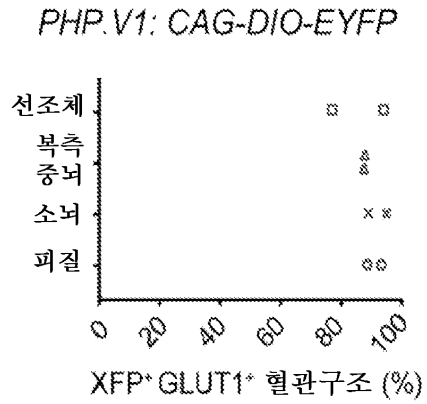
도면16


피질
PHP.V1
PHP.eB
AAV9
**
0
20
40
60
80
XFP⁺ GLUT1⁺ 혈관구조 (%)

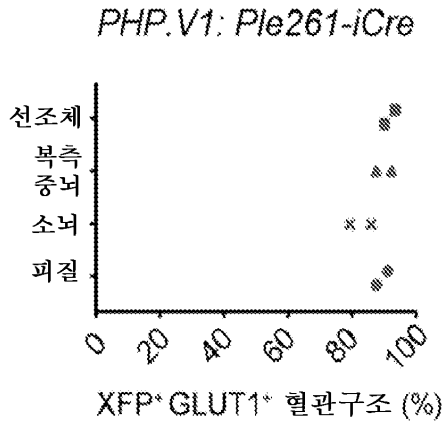
도면17



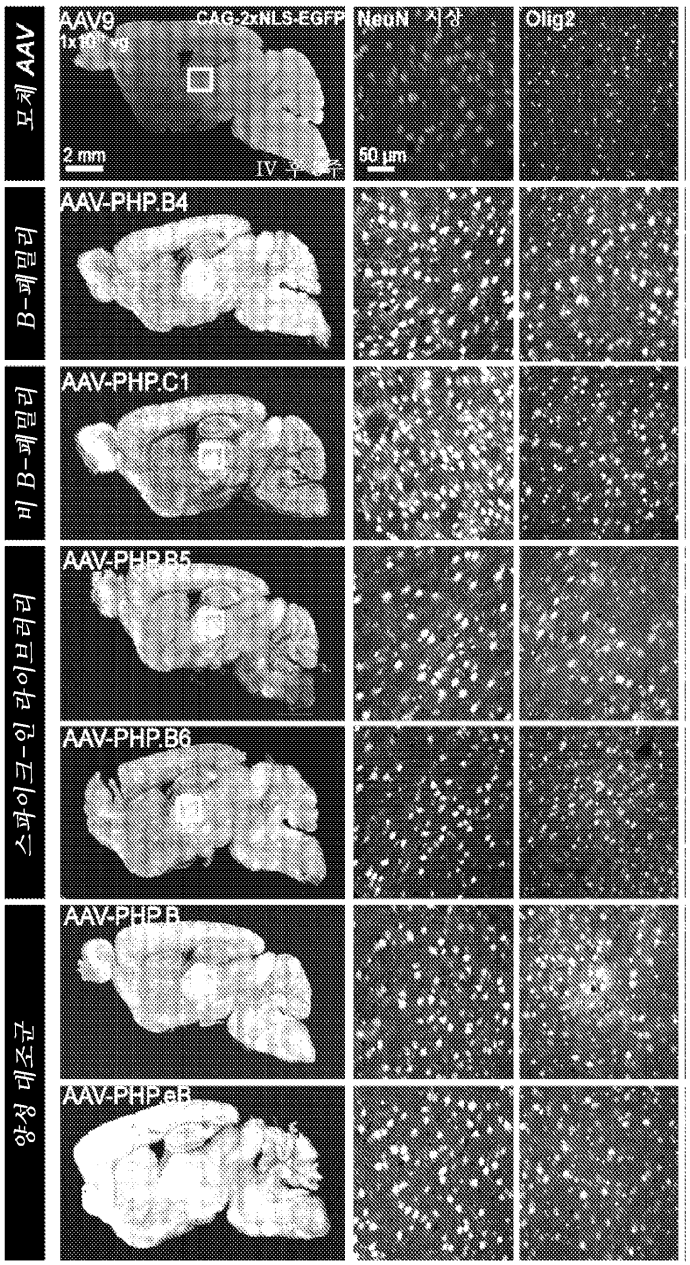
도면18



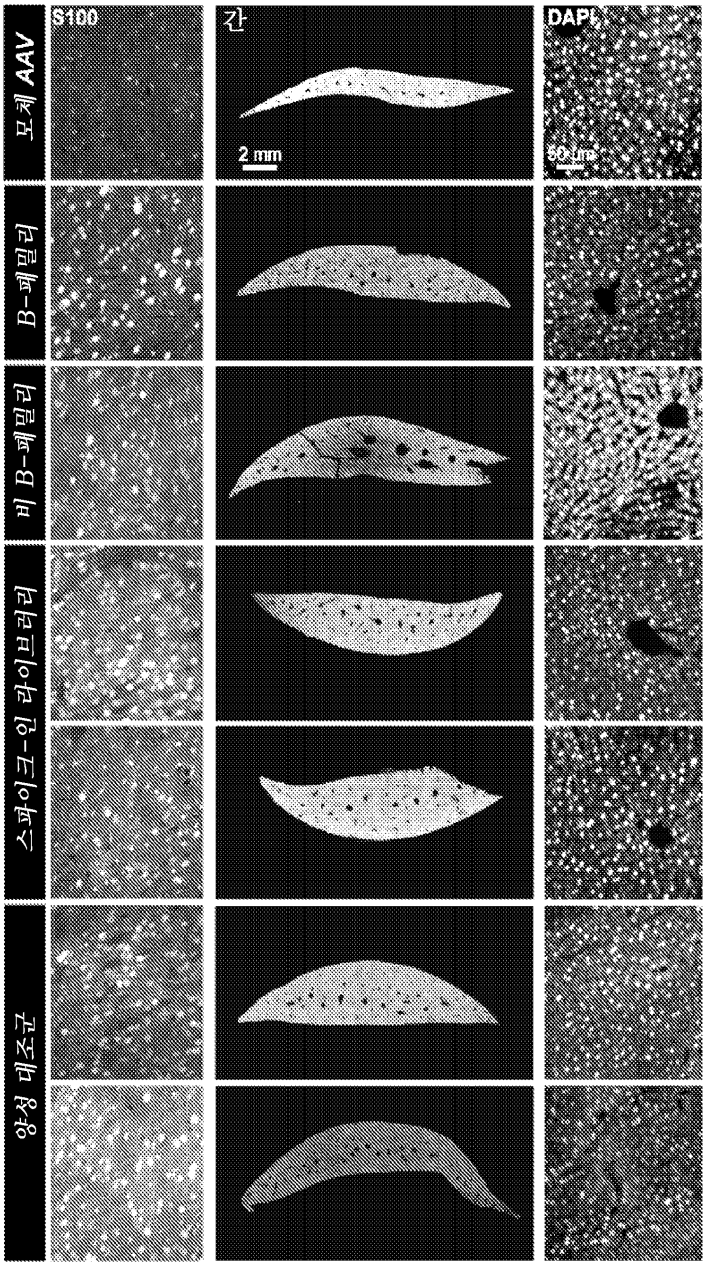
도면19



도면20a

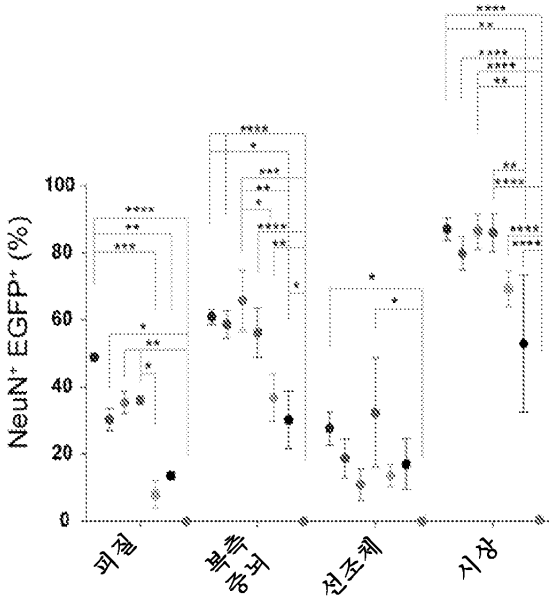

모체 AAV
AAV9
CAG-2xNLS-EGFP
NeuN 시상
Olig2
2 mm
50 μm
IV 뇌실
B-페밀리
AAV-PHP.B4
비 B-페밀리
AAV-PHP.C1
스파이크-인 라이브러리
AAV-PHP.B5
AAV-PHP.B6
양성 대조군
AAV-PHP.B
AAV-PHP.eB

도면20b



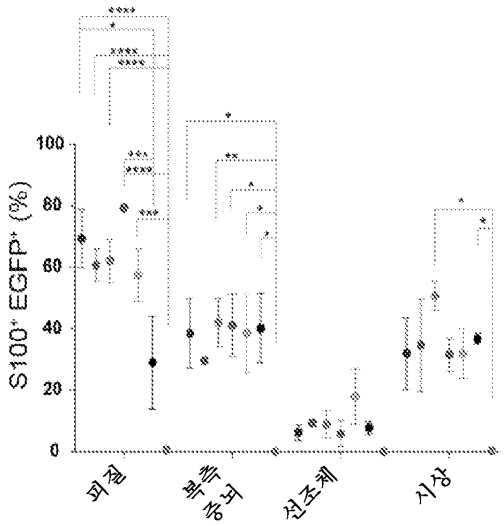
도면21

뉴런



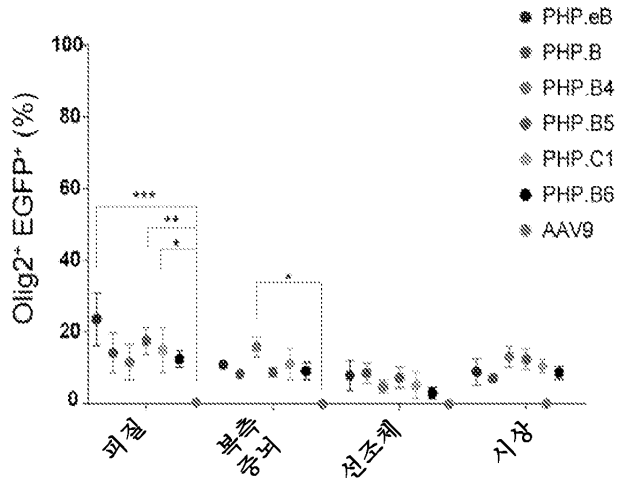
도면22

성상세포

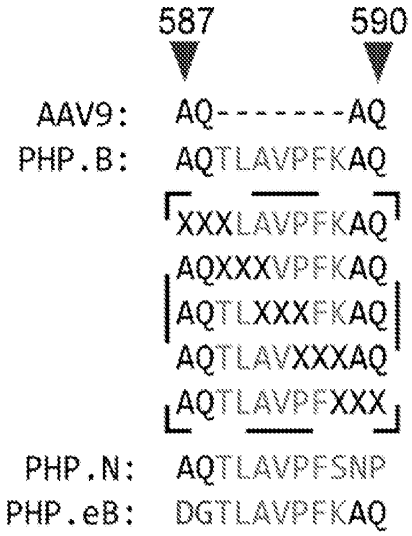


도면23

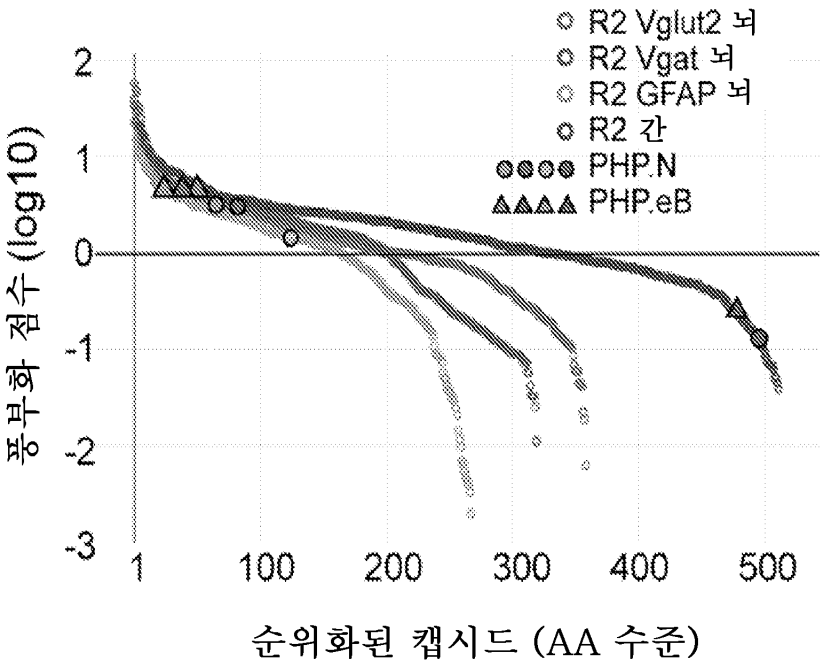
핍지교세포 계통 세포



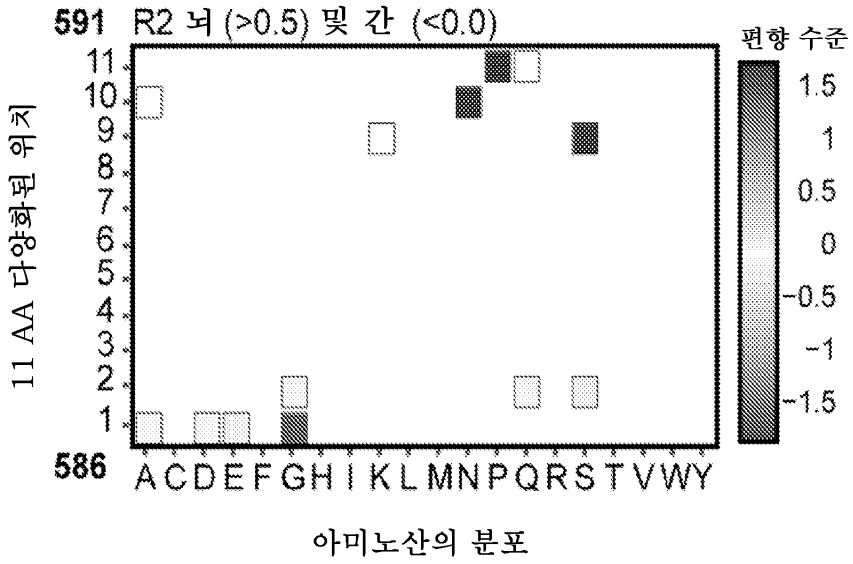
도면24



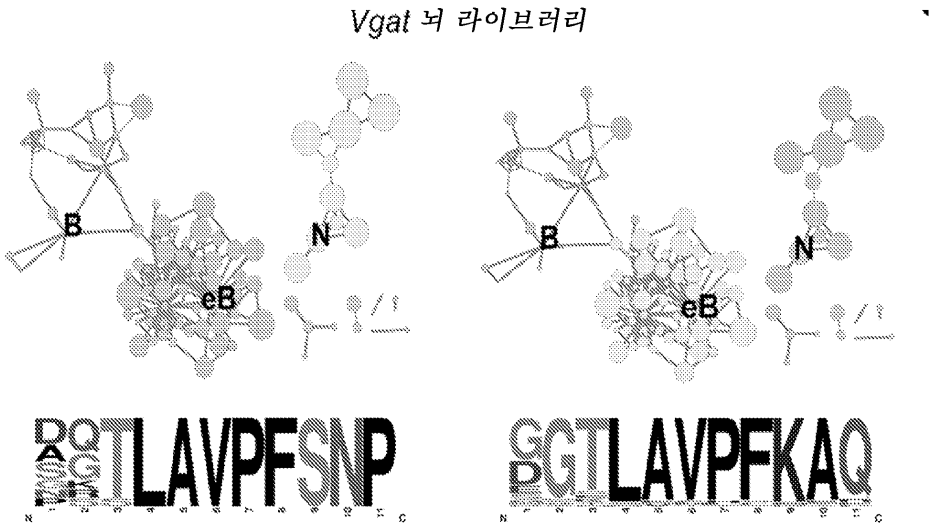
도면25


R2 Vglut2 뇌
R2 Vgat 뇌
R2 GFAP 뇌
R2 간
PHP.N
PHP.eB
풍부화 점수 (log10)
2
1
0
-1
-2
-3
1
100
200
300
400
500
순위화된 캡시드 (AA 수준)

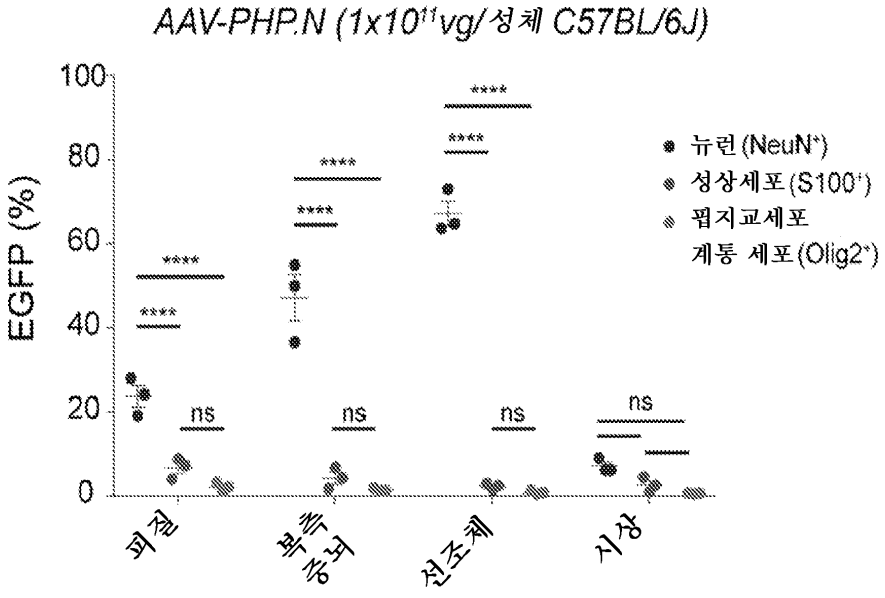
도면26


591
R2 뇌 (>0.5) 및 간 (<0.0)
편향 수준
1.5
1
0.5
0
-0.5
-1
-1.5
11 AA 다양화된 위치
11
10
9
8
7
6
5
4
3
2
1
586
A C D E F G H I K L M N P Q R S T V W Y
아미노산의 분포

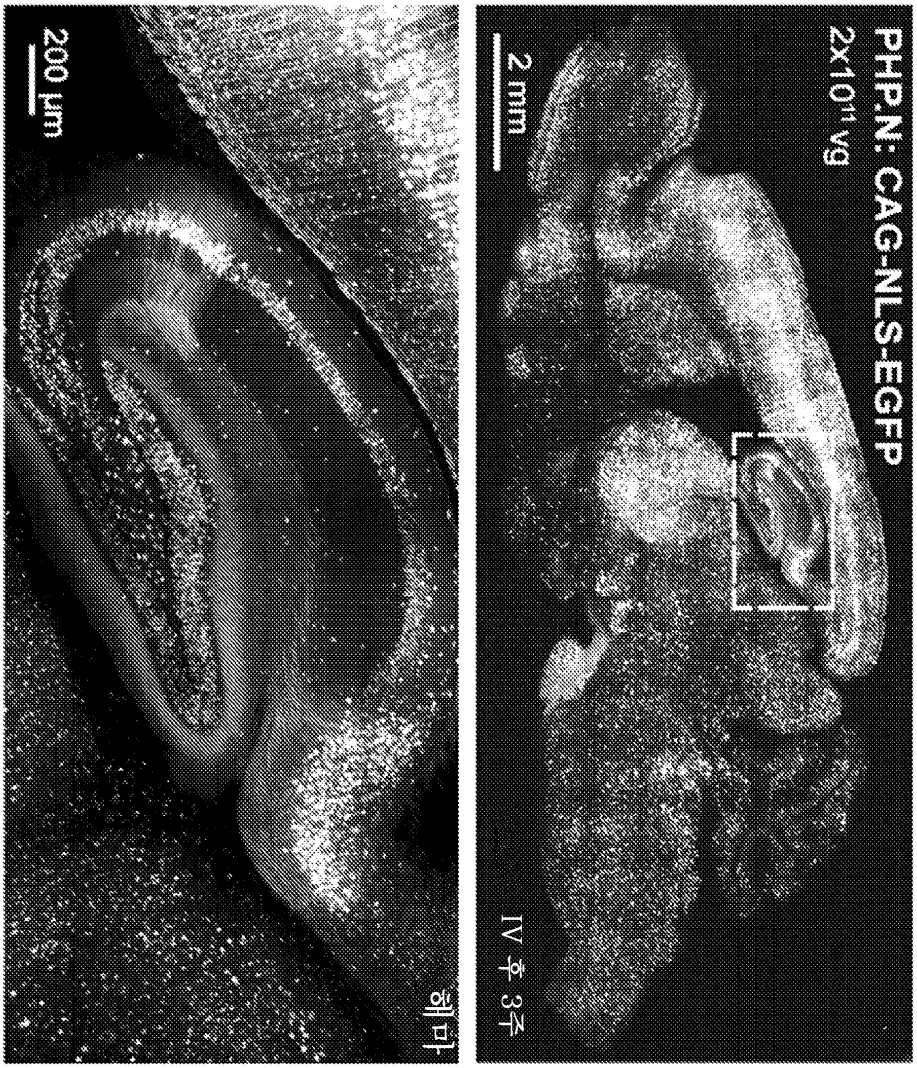
도면27


Vgat 뇌 라이브러리
B
N
eB
B
N
eB

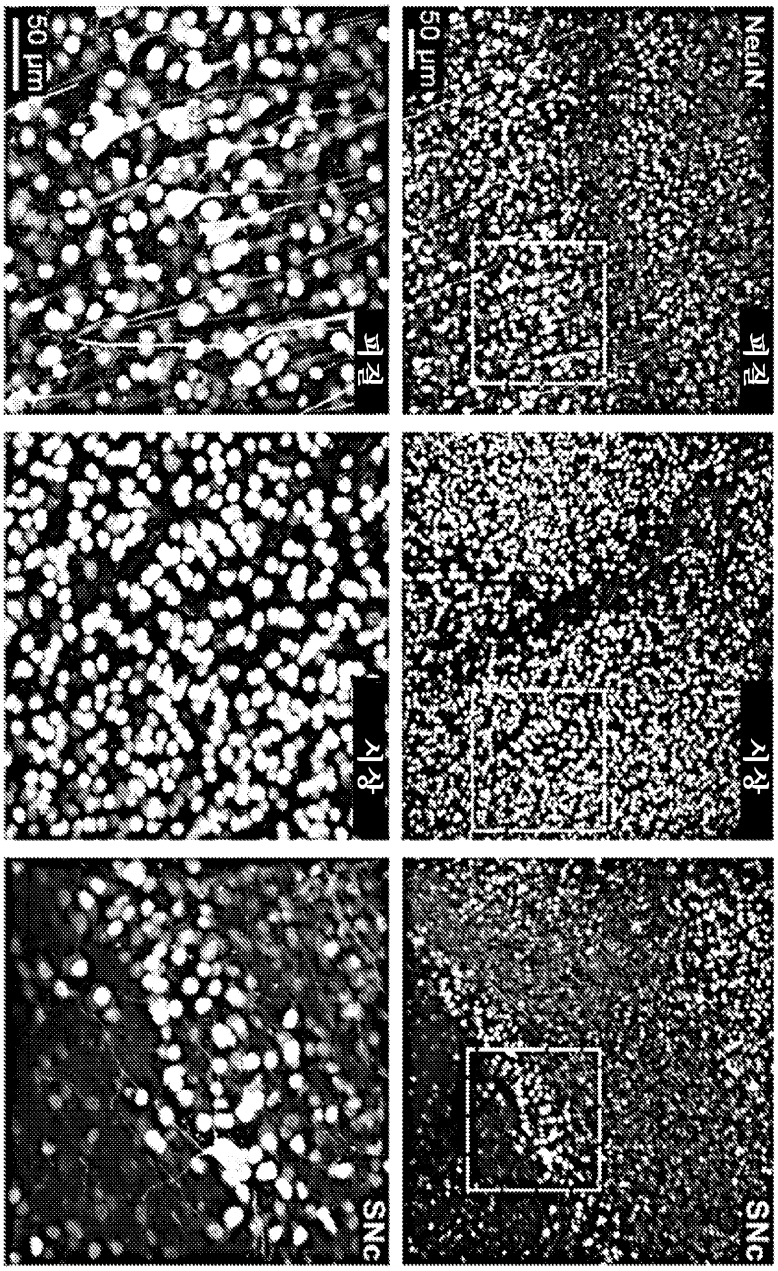
도면28


AAV-PHP.N (1x10¹¹vg/성체 C57BL/6J)
EGFP (%)
100
80
60
40
20
0
****
****
****
****
****
****
ns
ns
ns
ns
뉴런 (NeuN⁺)
성상세포 (S100⁺)
핍지교세포 계통 세포 (Olig2⁺)
피질
복측 중뇌
선조체
시상

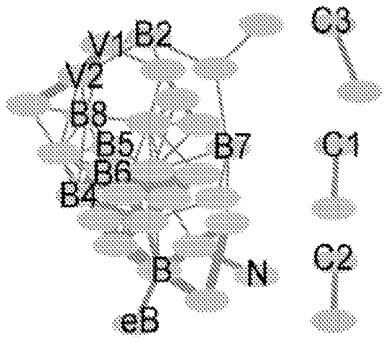
도면29a



도면29b

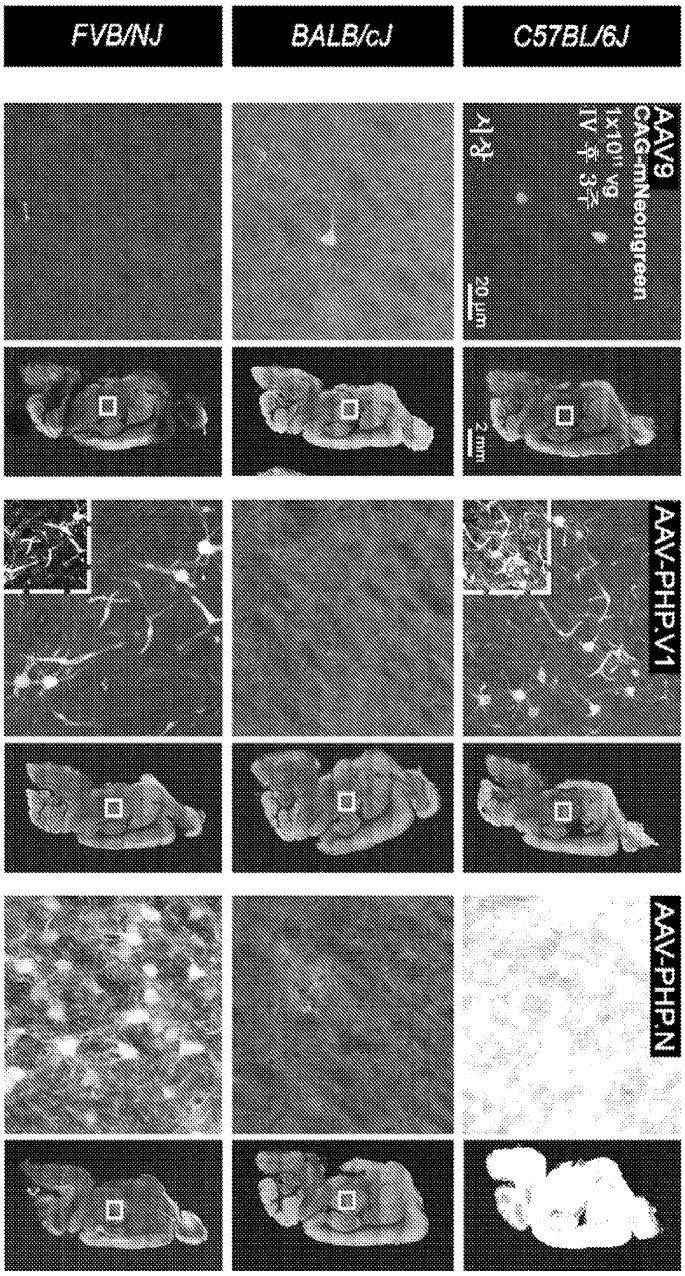


도면30

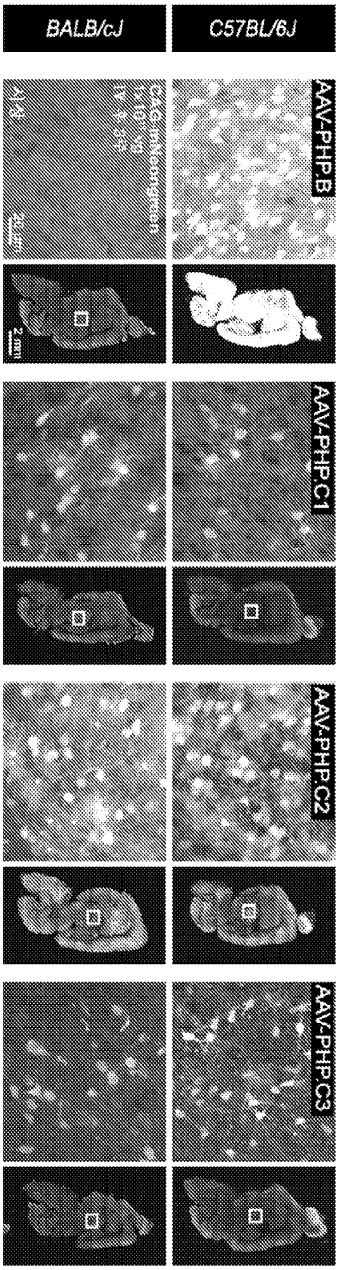



```
B3          588     589
              ▼       ▼
   AAV9:  AQ-------AQ

PHP.V1:  AQTALKPFLAQ
PHP.V2:  AQTTLKPFLAQ
 PHP.N:  AQTLAVPFSNP
PHP.eB:  DGTLAVPFKAQ
 PHP.B:  AQTLAVPFKAQ
PHP.B2:  AQSVSKPFLAQ
PHP.B3:  AQFTLTTPKAQ
PHP.B4:  AQTLQIPFKAQ
PHP.B5:  AQTLQLPFKAQ
PHP.B6:  AQTLQQPFKAQ
PHP.B7:  AQSIERPFKAQ
PHP.B8:  AQTMQKPFIAQ

PHP.C1:  AQRYQGDSVAQ
PHP.C2:  AQWSTNAGYAQ
PHP.C3:  AQERVGFAQAQ
```

도면31


FVB/NJ
BALB/cJ
C57BL/6J
AAV9
CAG-mNeongreen
1x10^11 vg
IV 후 3주
시상
20 um
2 mm
AAV-PHP.V1
AAV-PHP.N

도면32



도면33aa

퓽부화_ 순위 (라이브러리 내)	SEQ ID NO:	서열 (11 mer AA에 대해)	SEQ ID NO:	11 mer 아미노산	SEQ ID NO:	7 mer 아미노산	뇌-평균-퓽부화 점수 (log10)	뇌-평균-표준화된-카운트
SyS1	1074	GCCCAAACGTTGCAGATTCCTTTAAGGCACAG	5663	AQTLQIPFKAQ	10252	TLQIPFK	2.730563	26.96166
TS1	1075	GCCCAAACCGCCCTCAAACCCTTCCTCGCACAG	5664	AQTALKPFLAQ	10253	TALKPFL	2.536397	6.252175
TS2	1076	GCCCAAACCACCCTCAAACCCTTCCTCGCACAG	5665	AQTTLKPFLAQ	10254	TTLKPFL	2.513839	10.4831
SyS2	1077	GCCCAAAGCATCGAAAGACCCTTCAAAGCACAG	5666	AQSIERPFKAQ	10255	SIERPFK	2.357132	30.18586
GS4	1078	GCCCAAACCCAAAACAGACCCTTCCTGGCACAG	5667	AQTQNRPFLAQ	10256	TQNRPFL	2.22812	8.911382
TS3	1079	GCCCAAACCATGCAAAAACCCTTCATCGCACAG	5668	AQTMQKPFIAQ	10257	TMQKPFI	2.165359	12.68417
GS5	1080	GCCCAAACTAGTACGCGGCCGTTTTTGGCACAG	5669	AQTSTRPFLAQ	10258	TSTRPFL	2.14357	7.139476
SyS5	1081	GCCCAAGGCACCTTCGTCCCCCCCACCGCACAG	5670	AQGTFVPPTAQ	10259	GTFVPPT	2.110151	7.82868
SyS6	1082	GCCCAATGGTCGACTAATGCGGGTTATGCACAG	5671	AQWSTNAGYAQ	10260	WSTNAGY	1.979177	10.16316
SyS9	1083	GCCCAAACCCTCGAAAGACCCTTCACCGCACAG	5672	AQTLERPFTAQ	10261	TLERPFT	1.892846	9.19788
SP1	1084	GCCCAAACTGCTGCTAAGCCGTTTCTGGCACAG	5673	AQTAAKPFLAQ	10262	TAAKPFL	1.863541	0.239884
GS8	1085	GCCCAAATTAGGATTGGTTATTCGCAGGCACAG	5674	AQIRIGYSQAQ	10263	IRIGYSQ	1.835644	2.556906
SyS10	1086	GCCCAAGAGCGTGTGGGTTTTGCTCAGGCACAG	5675	AQERVGFAQAQ	10264	ERVGFAQ	1.73803	5.438205
SyS12	1087	GCCCAAGCCGACCTCCTCAACTACAGAGCACAG	5676	AQADLLNYRAQ	10265	ADLLNYR	1.599571	1.410457
SyS13	1088	GCCCAACTCGTCGCCGGCTTCAGCCAAGCACAG	5677	AQLVAGFSQAQ	10266	LVAGFSQ	1.591793	6.106031
SyP5	1089	GCCCAATCGTCTCTGAAGCCTTTTCTGGCACAG	5678	AQSSLKPFLAQ	10267	SSLKPFL	1.574365	-0.00792
TS8	1090	GCCCAAACGCATTCTAGGCCGTTTATTGCACAG	5679	AQTHSRPFIAQ	10268	THSRPFI	1.566468	1.399717
GP3	1091	GCCCAACCTTTTCCTGGTTATTCTGCGGCACAG	5680	AQPFPGYSAAQ	10269	PFPGYSA	1.555967	0.122481
SyP6	1092	GCCCAAATTATTGTTGGGTATAGTCAGGCACAG	5681	AQIIVGYSQAQ	10270	IIVGYSQ	1.515858	-0.03845
SS12	1093	GCCCAAAGGTATCAGGGTGATTCTGTTGCACAG	5682	AQRYQGDSVAQ	10271	RYQGDSV	1.486197	2.200634
GS13	1094	GCCCAAAGGTATGCTGGGGGATTCTATTGCACAG	5683	AQRYAGDSIAQ	10272	RYAGDSI	1.456352	2.513518
SyS15	1095	GCCCAAAAGACGATTGGGGAGCATTGGGCACAG	5684	AQKTIGEHWAQ	10273	KTIGEHW	1.44094	1.156576
SyS16	1096	GCCCAATGGATGACGCATGGTTCTGCGGCACAG	5685	AQWMTHGSAAQ	10274	WMTHGSA	1.432726	5.12209
GS16	1097	GCCCAAGCTGCTTCGAGGCCGTTTCTTGCACAG	5686	AQAASRPFLAQ	10275	AASRPFL	1.3791	1.903527

도면33ab

TP5	1098	GCCCAAACTACTTCTAGGCCGTTTCTTGCACAG	5687	AQTTSRPFLAQ	10276	TTSRPFL	1.353519	-0.09501
SyS17	1099	GCCCAAGCTCGTGTGGGTTTGGCTCAGGCACAG	5688	AQARVGLAQAQ	10277	ARVGLAQ	1.345499	1.982916
GP5	1100	GCCCAAGGGACTAGTCCGAATCTTGCGGCACAG	5689	AQGTSPNLAAQ	10278	GTSPNLA	1.306429	0.315395
SyS19	1101	GCCCAAGTGCGTACGGGGTATAGTTCTGCACAG	5690	AQVRTGYSSAQ	10279	VRTGYSS	1.302979	4.055383
SyS20	1102	GCCCAAATTCGGGTGGGGTATAGTTCTGCACAG	5691	AQIRVGYSSAQ	10280	IRVGYSS	1.286795	1.856458
TP6	1103	GCCCAAACTACTTTGCGTCCGTTTATTGCACAG	5692	AQTTLRPFIAQ	10281	TTLRPFI	1.284391	-0.12323
SyP9	1104	GCCCAAGGTATTACGTCTCTGTTTAAGGCACAG	5693	AQGITSLFKAQ	10282	GITSLFK	1.251837	0.032947
SyS21	1105	GCCCAAACCACCCAAACCCCCTTCAGAGCACAG	5694	AQTTQTPFRAQ	10283	TTQTPFR	1.192121	2.176002
TP8	1106	GCCCAAACTGTGTCGAGGCCGTTTTTGGCACAG	5695	AQTVSRPFLAQ	10284	TVSRPFL	1.171604	-0.12785
SyP11	1107	GCCCAATATGGGACGAATCCGTTTCGTGCACAG	5696	AQYGTNPFRAQ	10285	YGTNPFR	1.13664	-0.03961
SyS25	1108	GCCCAACCCACCATGGTCGACAGCAGCGCACAG	5697	AQPTMVDSSAQ	10286	PTMVDSS	1.099202	0.266059
GP9	1109	GCCCAAAATAAGGCTAGTTCTCAGAATGCACAG	5698	AQNKASSQNAQ	10287	NKASSQN	1.084711	0.150465
GP10	1110	GCCCAAACTTTTCGTAGTTCGAATGATGCACAG	5699	AQTFRSSNDAQ	10288	TFRSSND	1.032118	0.297543
GP11	1111	GCCCAACTGCCGGATCGTTATCCTAATGCACAG	5700	AQLPDRYPNAQ	10289	LPDRYPN	1.019382	0.311223
GP12	1112	GCCCAACAGAATGTTACGAAGGGTGTTGCACAG	5701	AQQNVTKGVAQ	10290	QNVTKGV	1.000865	0.069558
SyS26	1113	GCCCAAGCTCAGTCTCCGATTCTTCGGGCACAG	5702	AQAQSPILRAQ	10291	AQSPILR	0.979922	0.194304
SyS27	1114	GCCCAAGTGGCTACTGGTTATTCTTCGGCACAG	5703	AQVATGYSSAQ	10292	VATGYSS	0.978116	1.060347
GP13	1115	GCCCAATTGAATTCGAATCGGCCTAATGCACAG	5704	AQLNSNRPNAQ	10293	LNSNRPN	0.9672	0.275423
GP14	1116	GCCCAAACGATTCGTAATAATACGATTGCACAG	5705	AQTIRNNTIAQ	10294	TIRNNTI	0.959641	0.134651
SyP21	1117	GCCCAAGATCTTAGTCGTATTTTTAAGGCACAG	5706	AQDLSRIFKAQ	10295	DLSRIFK	0.950386	0.011306
SyS28	1118	GCCCAAACTCAGCAACAGCGCCAGCCAAGCACAG	5707	AQLSNSASQAQ	10296	LSNSASQ	0.941212	0.142825
SyS29	1119	GCCCAACTCGAAAACATGGTCATGAGCGCACAG	5708	AQLENMVMSAQ	10297	LENMVMS	0.937552	0.152227
SyS30	1120	GCCCAATTGACTCAGCAGACGGATTGTTGCACAG	5709	AQLTQQTDVAQ	10298	LTQQTDV	0.936974	0.055201
SyS31	1121	GCCCAAGCCGGCCTCGCCCACGCCACCGCACAG	5710	AQAGLAHATAQ	10299	AGLAHAT	0.936046	0.0038
SyS32	1122	GCCCAAAATGCTCATACTGCGCTGGATGCACAG	5711	AQNAHTALDAQ	10300	NAHTALD	0.933184	0.121259
TP14	1123	GCCCAATGGCCGATTCTTCGGGCTGATGCACAG	5712	AQWPILRADAQ	10301	WPILRAD	0.931545	-0.12619
GP15	1124	GCCCAAGCGCTGGCTGGTCTGTCTCTGGCACAG	5713	AQALAGLSLAQ	10302	ALAGLSL	0.930454	0.12621
GS21	1125	GCCCAACGTATTGATATGCCTTTTAAGGCACAG	5714	AQRIDMPFKAQ	10303	RIDMPFK	0.920205	0.015073
GP16	1126	GCCCAAACGATGTCGTTGAGTAGTAGTGCACAG	5715	AQTMSLSSSAQ	10304	TMSLSSS	0.919718	0.304165
GS23	1127	GCCCAACAAAACGTCGCCAAAAACCTCGCACAG	5716	AQQNVAKNLAQ	10305	QNVAKNL	0.916602	0.813873
SyS33	1128	GCCCAATTCGACAACCCCAACAACGTCGCACAG	5717	AQFDNPNNVAQ	10306	FDNPNNV	0.915503	0.086072
GS24	1129	GCCCAAGTCCTCATGAGAGAAAGCCTCGCACAG	5718	AQVLMRESLAQ	10307	VLMRESL	0.914386	0.141782

도면33ac

SyS34	1130	GCCCAACACCACGACACCGGCAGCGCCGCACAG	5719	AQHHDTGSAAQ	10308	HHDTGSA	0.912951	-0.01452
GP17	1131	GCCCAAGATGCGCCGAATAGTGTGGATGCACAG	5720	AQDAPNSVDAQ	10309	DAPNSVD	0.901999	0.074694
GP18	1132	GCCCAAACTGCGAGTAGGGATGCTAAGGCACAG	5721	AQTASRDAKAQ	10310	TASRDAK	0.889552	0.305208
TS16	1133	GCCCAAACTAATTATACGAAGCAGATTGCACAG	5722	AQTNYTKQIAQ	10311	TNYTKQI	0.889024	1.292832
GP20	1134	GCCCAACCTCATAATGCTTCTGTTGGCACAG	5723	AQPHNASVLAQ	10312	PHNASVL	0.864707	0.119015
TS17	1135	GCCCAAACCAACAACACCAGAAACATCGCACAG	5724	AQTNNTRNIAQ	10313	TNNTRNI	0.862873	3.066317
GP21	1136	GCCCAAATGGTTCCTAATCATTCTGGTGCACAG	5725	AQMVPNHSGAQ	10314	MVPNHSG	0.859604	0.10671
Sy536	1137	GCCCAACCGGTGCCGCAGTCTGAGCATGCACAG	5726	AQPVPQSEHAQ	10315	PVPQSEH	0.852761	0.005712
SyS37	1138	GCCCAACTCTACCACGGCGGCAGCACCGCACAG	5727	AQLYHGGSTAQ	10316	LYHGGST	0.851158	1.723386
GP22	1139	GCCCAAATGATTCATACTAGGGAGACGGCACAG	5728	AQMIHTRETAQ	10317	MIHTRET	0.850116	0.21081
TS18	1140	GCCCAAACTAATAATACGAAGCCTCTTGCACAG	5729	AQTNNTKPLAQ	10318	TNNTKPL	0.849557	1.523
TS20	1141	GCCCAACTCAACACCACCAGAAACACCGCACAG	5730	AQLNTTRNTAQ	10319	LNTTRNT	0.839304	2.098399
GP24	1142	GCCCAAGCTTTGCATAATTCTCAGAATGCACAG	5731	AQALHNSQNAQ	10320	ALHNSQN	0.827469	0.061402
TS21	1143	GCCCAAGTGAATAGTACGAGGAATGTTGCACAG	5732	AQVNSTRNVAQ	10321	VNSTRNV	0.826565	1.260315
GP25	1144	GCCCAAGGTGTTGGGGTTGTTACGAAGGCACAG	5733	AQGVGVVTKAQ	10322	GVGVVTK	0.820556	0.292663
GP26	1145	GCCCAAGTTTTGTCGAAGCAGTTGGCTGCACAG	5734	AQVLSKQLAAQ	10323	VLSKQLA	0.816495	0.216922
SyS38	1146	GCCCAATCTAAGTCTCTGCAGCCGTTGGCACAG	5735	AQSKSLQPLAQ	10324	SKSLQPL	0.815502	-0.01826
TS22	1147	GCCCAATCGAATTCTACGCGGTTGGTTGCACAG	5736	AQSNSTRLVAQ	10325	SNSTRLV	0.815119	1.172623
TS23	1148	GCCCAACTCAACCAAACCAAACAAATCGCACAG	5737	AQLNQTKQIAQ	10326	LNQTKQI	0.811665	0.576331
TS24	1149	GCCCAAAACAACAGCGTCAGACAACTCGCACAG	5738	AQNNSVRQLAQ	10327	NNSVRQL	0.806765	2.286879
SyS40	1150	GCCCAAATGTCGGGGTATTCGCATACTGCACAG	5739	AQMSGYSHTAQ	10328	MSGYSHT	0.804194	-0.01048
GS26	1151	GCCCAAGTCAAAGTCCCCATCATCACCGCACAG	5740	AQVKVPIITAQ	10329	VKVPIIT	0.799412	-0.10413
TS25	1152	GCCCAAGGGAATAATACTCGGGCGGTGGCACAG	5741	AQGNNTRAVAQ	10330	GNNTRAV	0.797634	1.315071
TS26	1153	GCCCAACAGAATCAGATTAAGAATATTGCACAG	5742	AQQNQIKNIAQ	10331	QNQIKNI	0.797303	0.74103
TS27	1154	GCCCAAACCAACATGACCAAACCCCTCGCACAG	5743	AQTNMTKPLAQ	10332	TNMTKPL	0.791064	0.75073
TS28	1155	GCCCAAAACAACAGCACCAGACTCAGCGCACAG	5744	AQNNSTRLSAQ	10333	NNSTRLS	0.790429	1.381045
SyS41	1156	GCCCAAAGCATGCTCACCAGCATCGTCGCACAG	5745	AQSMLTSIVAQ	10334	SMLTSIV	0.790252	0.060228
SyS42	1157	GCCCAACTCAAGCCACCGCCAGCAGAGCACAG	5746	AQLNATASRAQ	10335	LNATASR	0.785269	1.621315
SyS43	1158	GCCCAAAATACTGGGGTGCAGGTTAGGGCACAG	5747	AQNTGVQVRAQ	10336	NTGVQVR	0.785026	-0.11955
TS29	1159	GCCCAAACCAACACCGTCAGACCCATCGCACAG	5748	AQTNTVRPIAQ	10337	TNTVRPI	0.780569	1.015192
SyP24	1160	GCCCAACAGTCTACGCCGGGGGCTACTGCACAG	5749	AQQSTPGATAQ	10338	QSTPGAT	0.779842	-0.03057
SP19	1161	GCCCAAGGTCATTCTGAGAATTCTCGTGCACAG	5750	AQGHSENSRAQ	10339	GHSENSR	0.778724	-0.03149

도면33ad

Sy544	1162	GCCCAACTCCCCACCCAAACCCTCAGAGCACAG	5751	AQLPTQTLRAQ	10340	LPTQTLR	0.773756	0.51102
GS27	1163	GCCCAAAAGAATGCTCCGATGCCTGATGCACAG	5752	AQKNAPMPDAQ	10341	KNAPMPD	0.772397	0.130152
TS31	1164	GCCCAAAGCAACAGCACCAAACCCACCGCACAG	5753	AQSNSTKPTAQ	10342	SNSTKPT	0.768053	2.108136
Sy545	1165	GCCCAACCTATTATTACTATGCCTGCTGCACAG	5754	AQPIITMPAAQ	10343	PIITMPA	0.767318	-0.10299
GS28	1166	GCCCAACCCCTCAAAGGCATCGGCAGCGCACAG	5755	AQPLKGIGSAQ	10344	PLKGIGS	0.767253	-0.07052
GS29	1167	GCCCAAGTCCTCAGCGTCAACCACCTCGCACAG	5756	AQVLSVNHLAQ	10345	VLSVNHL	0.765014	0.050802
Sy546	1168	GCCCAAAGTGTGGCTGCTGTGCATATGGCACAG	5757	AQSVAAVHMAQ	10346	SVAAVHM	0.764013	0.277236
TS32	1169	GCCCAAAGCAACAGCATCAGACTCGTCGCACAG	5758	AQSNSIRLVAQ	10347	SNSIRLV	0.763114	1.058208
TS33	1170	GCCCAACATAATGATACTCGTCCTCTTGCACAG	5759	AQHNDTRPLAQ	10348	HNDTRPL	0.759962	-0.04126
GS31	1171	GCCCAACCTCCGGTGAGGTCTACGGCTGCACAG	5760	AQPPVRSTAAQ	10349	PPVRSTA	0.755777	-0.09946
TS34	1172	GCCCAAATGAACACCGTCAGAAACCTCGCACAG	5761	AQMNTVRNLAQ	10350	MNTVRNL	0.754463	1.394996
GS32	1173	GCCCAATTGACGGATGGTCATCGGATTGCACAG	5762	AQLTDGHRIAQ	10351	LTDGHRI	0.754429	0.32562
TS35	1174	GCCCAAACGAATGCGGTGAAGCTGACTGCACAG	5763	AQTNAVKLTAQ	10352	TNAVKLT	0.752766	1.157992
Sy548	1175	GCCCAACGTGTGGATGCGGTTTTGAGTGCACAG	5764	AQRVDAVLSAQ	10353	RVDAVLS	0.750458	0.650222
TS36	1176	GCCCAAACCAACGCCGTCAAAAGCACCGCACAG	5765	AQTNAVKSTAQ	10354	TNAVKST	0.749271	1.812411
Sy549	1177	GCCCAAATGCTCAACACCACCGCCAGAGCACAG	5766	AQMLNTTARAQ	10355	MLNTTAR	0.747921	2.456673
TS37	1178	GCCCAAGGCAACAACACCAGACCCACCGCACAG	5767	AQGNNTRPTAQ	10356	GNNTRPT	0.747523	1.945144
GP29	1179	GCCCAACAGTCTGGGGGTAGTGCGTTGGCACAG	5768	AQQSGGSALAQ	10357	QSGGSAL	0.744332	0.320051
Sy550	1180	GCCCAAGTGATTGCTTTGTCTACTATGGCACAG	5769	AQVIALSTMAQ	10358	VIALSTM	0.743901	-0.08342
TS38	1181	GCCCAACTGAATACGATTCGGAATGTGGCACAG	5770	AQLNTIRNVAQ	10359	LNTIRNV	0.743811	0.509953
TS39	1182	GCCCAAAGCAACGCCACCAGAAGCGTCGCACAG	5771	AQSNATRSVAQ	10360	SNATRSV	0.740235	2.030618
TS40	1183	GCCCAAGGCAACGGCACCAAATTCATCGCACAG	5772	AQGNGTKFIAQ	10361	GNGTKFI	0.736944	0.870325
TS41	1184	GCCCAAAGCAACACCATCAGACCCGTCGCACAG	5773	AQSNTIRPVAQ	10362	SNTIRPV	0.736197	0.921801
TS42	1185	GCCCAAAGCAACAGCACCAGAGCCATCGGCACAG	5774	AQSNSTRAIAQ	10363	SNSTRAI	0.734716	1.769995
Sy551	1186	GCCCAATTTCATTTGACTGATAGGGGTGCACAG	5775	AQFHLTDRGAQ	10364	FHLTDRG	0.733831	-0.11858
GS33	1187	GCCCAACCGATTAGGTCGGATACTGTGGCACAG	5776	AQPIRSDTVAQ	10365	PIRSDTV	0.731286	-0.03233
GS34	1188	GCCCAAGCCAACCAAATCCACAACACCGCACAG	5777	AQANQIHNTAQ	10366	ANQIHNT	0.730071	1.693251
TS44	1189	GCCCAATCGAATACGGTTCGGAATACTGCACAG	5778	AQSNTVRNTAQ	10367	SNTVRNT	0.727807	1.688407
Sy552	1190	GCCCAAACCAGCCTCGGCTACAGCAGCGCACAG	5779	AQTSLGYSSAQ	10368	TSLGYSS	0.727167	0.736367
Sy553	1191	GCCCAAATCAGCGGGCGTCCAAACCAGAGCACAG	5780	AQISGVQTRAQ	10369	ISGVQTR	0.724309	-0.03855
TS45	1192	GCCCAATCGAATGCTGTTAGGCAGACTGCACAG	5781	AQSNAVRQTAQ	10370	SNAVRQT	0.72361	1.522098
Sy554	1193	GCCCAATCTCTTTCTGAGCTTAGGATTGCACAG	5782	AQSLSELRIAQ	10371	SLSELRI	0.723061	-0.02338

도면33ae

SyS55	1194	GCCCAAAGTACTGAGAAGAGGGATGAGGCACAG	5783	AQSTEKRDEAQ	10372	STEKRDE	0.721349	0.390249
SyS56	1195	GCCCAAAACCTCGTCGGCACCCTCATCGGCACAG	5784	AQNLVGTLIAQ	10373	NLVGTLI	0.72103	-0.05799
TS46	1196	GCCCAAGGCAACAACATCAGACTCACCGCACAG	5785	AQGNNIRLTAQ	10374	GNNIRLT	0.719643	1.815768
SyS57	1197	GCCCAAGCCGTCCCCACCGGCCTCAGAGCACAG	5786	AQAVPTGLRAQ	10375	AVPTGLR	0.717951	0.29549
SyS58	1198	GCCCAAGGTGATAATAGTCTGACTAGGGCACAG	5787	AQGDNSLTRAQ	10376	GDNSLTR	0.717624	0.075033
SyS59	1199	GCCCAACACGCCGACAACAGACTCAAAGCACAG	5788	AQHADNRLKAQ	10377	HADNRLK	0.714815	-0.04579
TS47	1200	GCCCAAAGCAACGCCACCAGAAACTTCGCACAG	5789	AQSNATRNFAQ	10378	SNATRNF	0.714052	1.193285
TS48	1201	GCCCAAGGGAATACGACTAGGGGGCTGGCACAG	5790	AQGNTTRGLAQ	10379	GNTTRGL	0.713945	1.078842
SyS60	1202	GCCCAACTCAACCTCACCGCCACCAACGCACAG	5791	AQLNLTATNAQ	10380	LNLTATN	0.71358	0.152602
SyS61	1203	GCCCAAAGCGGCGTCAGCACCACCGACGCACAG	5792	AQSGVSTTDAQ	10381	SGVSTTD	0.711249	-0.01534
GP31	1204	GCCCAATATGCTAAGACGTTGGCTATGGCACAG	5793	AQYAKTLAMAQ	10382	YAKTLAM	0.710703	0.312387
TS49	1205	GCCCAAATGAACCACACCAAACCCACCGCACAG	5794	AQMNHTKPTAQ	10383	MNHTKPT	0.710702	1.058209
TS50	1206	GCCCAAGCTAATGCTACGAGGAATTCTGCACAG	5795	AQANATRNSAQ	10384	ANATRNS	0.707423	0.724059
TS51	1207	GCCCAACAAAACCAAACCAAATCACCGCACAG	5796	AQQNQTKITAQ	10385	QNQTKIT	0.707235	1.179467
TS52	1208	GCCCAATCTAATGCTATTAAGGCTACGGCACAG	5797	AQSNAIKATAQ	10386	SNAIKAT	0.70699	0.910476
SyS62	1209	GCCCAATATCCTGATAATTATGGTAAGGCACAG	5798	AQYPDNYGKAQ	10387	YPDNYGK	0.706343	0.147368
TS53	1210	GCCCAAGGCAACACCACCATCAGAAGCGCACAG	5799	AQGNTTIRSAQ	10388	GNTTIRS	0.705947	1.078768
SyP28	1211	GCCCAACTGGGTCTTACGGGTGCGGTTGCACAG	5800	AQLGLTGAVAQ	10389	LGLTGAV	0.705628	-0.04044
TS54	1212	GCCCAAGCGAATAGTACGCGTATTCTGGCACAG	5801	AQANSTRILAQ	10390	ANSTRIL	0.704068	1.203143
TS55	1213	GCCCAAGATAATGCGATTCGTGCGCAGGCACAG	5802	AQDNAIRAQAQ	10391	DNAIRAQ	0.703945	0.267003
TS56	1214	GCCCAAACGAATTATACTAAGCTTATGGCACAG	5803	AQTNYTKLMAQ	10392	TNYTKLM	0.702916	0.470577
GS38	1215	GCCCAACATAATAGTCCTAGTAGTTATGCACAG	5804	AQHNSPSSYAQ	10393	HNSPSSY	0.70154	-0.08846
TS57	1216	GCCCAAGAGAATATGGTTCGGTCTGTGGCACAG	5805	AQENMVRSVAQ	10394	ENMVRSV	0.700139	0.554646
TS58	1217	GCCCAAACCAACAACATCAAAAGCTACGCACAG	5806	AQTNNIKSYAQ	10395	TNNIKSY	0.698201	1.233802
TS59	1218	GCCCAAACTAATTCGACGAGGCCTGTGGCACAG	5807	AQTNSTRPVAQ	10396	TNSTRPV	0.696679	0.516411
GP34	1219	GCCCAACATACGGCTCCGCCTCATCCTGCACAG	5808	AQHTAPPHPAQ	10397	HTAPPHP	0.695156	-0.01516
SyS63	1220	GCCCAAGCCCTCAGCCAAAACACCAGCGCACAG	5809	AQALSQNTSAQ	10398	ALSQNTS	0.692869	0.222209
TS60	1221	GCCCAACCGAATGTGACTAAGAATGCTGCACAG	5810	AQPNVTKNAAQ	10399	PNVTKNA	0.692038	-0.01089
GP36	1222	GCCCAACTTGATACGCTGACGGGTTATGCACAG	5811	AQLDTLTGYAQ	10400	LDTLTGY	0.690142	0.248937
TS61	1223	GCCCAACCTAATAGTGTGCGTTCTGTTGCACAG	5812	AQPNSVRSVAQ	10401	PNSVRSV	0.689082	0.294508
SyS64	1224	GCCCAAACCAGCAGCCACCTCCCCCACGCACAG	5813	AQTSSHLPHAQ	10402	TSSHLPH	0.688469	0.465642
GS40	1225	GCCCAAGTTCTTCATGGTGGTAATGATGCACAG	5814	AQVLHGGNDAQ	10403	VLHGGND	0.687991	0.121136

도면33af

TS62	1226	GCCCAAAGCAACTACGTCAAAAGCGCCGCACAG	5815	AQSNYVKSAAQ	10404	SNYVKSA	0.687276	0.620002
TS63	1227	GCCCAAGACAACAACAGCACCAGATGGGCACAG	5816	AQDNNSTRWAQ	10405	DNNSTRW	0.687057	0.34274
GP37	1228	GCCCAAACTGTGATGAAGGGTTTACTGCACAG	5817	AQTVMKGFTAQ	10406	TVMKGFT	0.687036	0.307342
Sy565	1229	GCCCAAAGCCACACCCTCAGCACCCTCGCACAG	5818	AQSHTLSTLAQ	10407	SHTLSTL	0.686592	0.104749
Sy566	1230	GCCCAACCTGGTCCTCAGCAGGCGAAGGCACAG	5819	AQPGPQQAKAQ	10408	PGPQQAK	0.685365	0.364455
GS41	1231	GCCCAAACTTTTGGGACGTCTAAGTTGGCACAG	5820	AQTFGTSKLAQ	10409	TFGTSKL	0.684153	0.041123
Sy567	1232	GCCCAAAGCAACGCCGTCACCAACAGAGCACAG	5821	AQSNAVTNRAQ	10410	SNAVTNR	0.683838	2.350107
GP38	1233	GCCCAATTGTCTATGTCGACGGTGCCTGCACAG	5822	AQLSMSTVPAQ	10411	LSMSTVP	0.682136	0.463832
GS42	1234	GCCCAAAGGCGTTATGATGGTAGGGAGGCACAG	5823	AQRRYDGREAQ	10412	RRYDGRE	0.681722	-0.04926
TS64	1235	GCCCAAACCAACAGCACCAAAAACATCGCACAG	5824	AQTNSTKNIAQ	10413	TNSTKNI	0.678439	2.312433
GS43	1236	GCCCAAATTAATGCTCAGTGGTCTGCGGCACAG	5825	AQINAQWSAAQ	10414	INAQWSA	0.672085	0.020513
Sy568	1237	GCCCAAGCCCAAACCAGCAACGACCCCGCACAG	5826	AQAQTSNDPAQ	10415	AQTSNDP	0.669325	0.289379
TS65	1238	GCCCAAACGAATGAGACTAGGATGGTGGCACAG	5827	AQTNETRMVAQ	10416	TNETRMV	0.669307	0.50614
TS66	1239	GCCCAAGCCAACGCCACCAGAGGCGTCGCACAG	5828	AQANATRGVAQ	10417	ANATRGV	0.667153	0.206293
Sy569	1240	GCCCAAGCGGATGTGAATGCTTCGGGTGCACAG	5829	AQADVNASGAQ	10418	ADVNASG	0.666574	-0.04779
GP39	1241	GCCCAACTTAGTGAGCGGAATTATGTGGCACAG	5830	AQLSERNYVAQ	10419	LSERNYV	0.665675	0.088761
GP40	1242	GCCCAAAGTGGTGAGCTTGCGCGGGCGGCACAG	5831	AQSGELARAAQ	10420	SGELARA	0.663381	0.117091
TS67	1243	GCCCAAGGGAATACTGCTAAGAATATTGCACAG	5832	AQGNTAKNIAQ	10421	GNTAKNI	0.662988	0.420415
TS68	1244	GCCCAAGACAACGCGGTCAGACCCCTCGCACAG	5833	AQDNAVRPLAQ	10422	DNAVRPL	0.662435	0.259838
Sy570	1245	GCCCAAATGATGCTCAGCGGCCTCAACGCACAG	5834	AQMMLSGLNAQ	10423	MMLSGLN	0.660837	0.004421
TS70	1246	GCCCAACCCAACACCATCAGAAACGTCGCACAG	5835	AQPNTIRNVAQ	10424	PNTIRNV	0.660528	0.629407
TS71	1247	GCCCAAGAGAATTTGACGCGTGGGGTGGCACAG	5836	AQENLTRGVAQ	10425	ENLTRGV	0.659884	0.188249
GP41	1248	GCCCAATTTAGTGCTCGGAGTACGGGGGCACAG	5837	AQFSARSTGAQ	10426	FSARSTG	0.659095	0.105157
TS72	1249	GCCCAAGAAAACGCCACCAGAACCTACGCACAG	5838	AQENATRTYAQ	10427	ENATRTY	0.657305	1.105462
TS73	1250	GCCCAAGGCAACAGCACCAGAATGAACGCACAG	5839	AQGNSTRMNAQ	10428	GNSTRMN	0.656999	0.923491
TS74	1251	GCCCAAGGGAATTCTACTAAGTCTCCTGCACAG	5840	AQGNSTKSPAQ	10429	GNSTKSP	0.656908	0.716749
GS44	1252	GCCCAAATGCAAACCACCCTCCACCTGCACAG	5841	AQMQTTLHLAQ	10430	MQTTLHL	0.656525	-0.09797
Sy571	1253	GCCCAAAACCCCACCCTCATCACCCTCGCACAG	5842	AQNPTLITLAQ	10431	NPTLITL	0.655924	0.146275
Sy572	1254	GCCCAACTTATTTCTGGTCATGCGCAGGCACAG	5843	AQLISGHAQAQ	10432	LISGHAQ	0.655121	0.171881
Sy573	1255	GCCCAATTCAACCAAGTCAGAAGCCTCGCACAG	5844	AQFNQVRSLAQ	10433	FNQVRSL	0.65493	0.025869
GS45	1256	GCCCAAATGAACATCCTCAGAGAAGTCGCACAG	5845	AQMNILREVAQ	10434	MNILREV	0.654097	-0.09985
GP42	1257	GCCCAAAGTGCTATGATGCGTGGTGTTGCACAG	5846	AQSAMMRGVAQ	10435	SAMMRGV	0.653566	-0.06697

도면33ag

SyS74	1258	GCCCAACCCATGCTCAGCAGCCCAGCGCACAG	5847	AQPMLSSPSAQ	10436	PMLSSPS	0.652269	-0.07485
TS75	1259	GCCCAAACAGAATAATACGCTTAGGTCGGCACAG	5848	AQQNNTLRSAQ	10437	QNNTLRS	0.651653	0.733737
GS46	1260	GCCCAAAGGCATTCGGATCCGGTGGAGGCACAG	5849	AQRHSDPVEAQ	10438	RHSDPVE	0.65144	-0.07331
GS47	1261	GCCCAAGTGAATACGACGTTTTCTACGGCACAG	5850	AQVNTTFSTAQ	10439	VNTTFST	0.65142	-0.00755
TS76	1262	GCCCAAATCAACAGCACCAGAGGCATCGCACAG	5851	AQINSTRGIAQ	10440	INSTRGI	0.650374	0.746658
TS77	1263	GCCCAAACCAACGCCGTCAGAGACCTCGCACAG	5852	AQTNAVRDLAQ	10441	TNAVRDL	0.649865	0.608962
TS78	1264	GCCCAATCTAATAGTACTAGGCTGTCGGCACAG	5853	AQSNSTRLSAQ	10442	SNSTRLS	0.649567	1.213202
SyS75	1265	GCCCAAACGTCTATTGCTGGGTCGTTTGCACAG	5854	AQTSIAGSFAQ	10443	TSIAGSF	0.647793	0.065679
SS27	1266	GCCCAACTCGGCAGCACCTACCCCAGAGCACAG	5855	AQLGSTYPRAQ	10444	LGSTYPR	0.644533	-0.23408
SyS76	1267	GCCCAAGCCAACGTCACCACCCAAAGAGCACAG	5856	AQANVTTQRAQ	10445	ANVTTQR	0.643299	0.597905
TS79	1268	GCCCAAAGCAACAGCGTCAGACTCAGCGCACAG	5857	AQSNSVRLSAQ	10446	SNSVRLS	0.641635	0.657122
GS48	1269	GCCCAAGCTACGAATGAGCCTGATCGGGCACAG	5858	AQATNEPDRAQ	10447	ATNEPDR	0.641008	-0.06388
GS49	1270	GCCCAAAGAATGAACCCGAACAAAGCGCACAG	5859	AQRMNPEQSAQ	10448	RMNPEQS	0.640866	0.123792
GS50	1271	GCCCAATCGGTTAGTGGTTCGGCTAATGCACAG	5860	AQSVSGSANAQ	10449	SVSGSAN	0.640362	-0.07276
GS51	1272	GCCCAACCGAGTAATAGTACTACGCGTGCACAG	5861	AQPSNSTTRAQ	10450	PSNSTTR	0.639664	0.069013
GP43	1273	GCCCAACTTTTTCATGGTACGCATGAGGCACAG	5862	AQLFHGTHEAQ	10451	LFHGTHE	0.639176	0.186361
SyS77	1274	GCCCAACCCCAACTCGGCAGCACCAAAGCACAG	5863	AQPQLGSTKAQ	10452	PQLGSTK	0.638022	0.187838
SyS78	1275	GCCCAACCCATCAGCGCCAACAGACTCGCACAG	5864	AQPISANRLAQ	10453	PISANRL	0.637814	-0.06902
SyS79	1276	GCCCAAAATTCGGGTAATCTTTCTATGGCACAG	5865	AQNSGNLSMAQ	10454	NSGNLSM	0.637206	0.248456
SyS80	1277	GCCCAAAAGGTTGAGGCTATTGGGATGGCACAG	5866	AQKVEAIGMAQ	10455	KVEAIGM	0.63585	0.196256
SyS81	1278	GCCCAAAAGACTTTGCTTAATAGTGTTGCACAG	5867	AQKTLLNSVAQ	10456	KTLLNSV	0.635567	-0.07329
GS52	1279	GCCCAAAATGCTATGGATCTTAAGGTGGCACAG	5868	AQNAMDLKVAQ	10457	NAMDLKV	0.633592	-0.04013
SyS82	1280	GCCCAAAATGATGGGTAATGGGTCTTCGGCACAG	5869	AQMMGNGSSAQ	10458	MMGNGSS	0.632846	-0.04467
TS80	1281	GCCCAAAGCAACAGCACCAAAGCCCTCGCACAG	5870	AQSNSTKALAQ	10459	SNSTKAL	0.630646	1.07834
TS81	1282	GCCCAATCTAATAGTACGCGGGGTACGGCACAG	5871	AQSNSTRGTAQ	10460	SNSTRGT	0.630359	1.275033
GS53	1283	GCCCAAAGCCTCAGCAGCCTCCACGTCGCACAG	5872	AQSLSSLHVAQ	10461	SLSSLHV	0.629137	-0.08892
SyS83	1284	GCCCAAACCCTCAGCGGCGCCCTCACCGCACAG	5873	AQTLSGALTAQ	10462	TLSGALT	0.628275	0.306806
TS82	1285	GCCCAACCGAATACGGTGAGGAATAATGCACAG	5874	AQPNTVRNNAQ	10463	PNTVRNN	0.627943	1.035691
TS83	1286	GCCCAAAATAATAATGTGAAGATGACTGCACAG	5875	AQNNNVKMTAQ	10464	NNNVKMT	0.627302	0.23573
GP46	1287	GCCCAATCTGTTGCTAAGCCTTTATGGCACAG	5876	AQSVAKPFMAQ	10465	SVAKPFM	0.627075	0.17477
SyP29	1288	GCCCAAACGCAGACGACTCGGCTTTCGGCACAG	5877	AQTQTTRLSAQ	10466	TQTTRLS	0.625657	-0.04236
TS84	1289	GCCCAAAATAATGCGACTCGGGGTGGGGCACAG	5878	AQNNATRGGAQ	10467	NNATRGG	0.622765	0.76061

도면33ah

TS85	1290	GCCCAAACCAACACCACCGCCAGAATCGCACAG	5879	AQTNTTARIAQ	10468	TNTTARI	0.621665	0.649749
TS86	1291	GCCCAAGAGAATAGTATTCGGACTATTGCACAG	5880	AQENSIRTIAQ	10469	ENSIRTI	0.619021	0.750947
GS55	1292	GCCCAAATTAGGGAGACTTCTGGGAAGGCACAG	5881	AQIRETSGKAQ	10470	IRETSGK	0.618732	-0.00781
SyS84	1293	GCCCAAAGCATCTACTACCACACCGAAGCACAG	5882	AQSIYYHTEAQ	10471	SIYYHTE	0.618441	-0.07907
SyS85	1294	GCCCAAGTCCTCGACAACAGCGGCCAAGCACAG	5883	AQVLDNSGQAQ	10472	VLDNSGQ	0.618183	-0.1396
GS56	1295	GCCCAAAGCCACAACATGACCATCAGAGCACAG	5884	AQSHNMTIRAQ	10473	SHNMTIR	0.614114	0.473069
SyS86	1296	GCCCAAACCATCCCCAGCGCCGGCAAAGCACAG	5885	AQTIPSAGKAQ	10474	TIPSAGK	0.612816	0.150798
SyP30	1297	GCCCCACCTAGGCATACTTTGAGTCAGGCACAG	5886	APPRHTLSQAQ	10475	PRHTLSQ	0.60799	-0.00929
SyS87	1298	GCCCAATCGCTTAATGTGCAGGATGTGGCACAG	5887	AQSLNVQDVAQ	10476	SLNVQDV	0.607203	0.057645
GP48	1299	GCCCAATATCAGTCTCTGGCTAATCCGGCACAG	5888	AQYQSLANPAQ	10477	YQSLANP	0.607005	0.036857
GS58	1300	GCCCAAATTCTGAATATGTCTACGGATGCACAG	5889	AQILNMSTDAQ	10478	ILNMSTD	0.606834	-0.1435
SyS88	1301	GCCCAAGTCCTCCACCTCGGCCACAGCGCACAG	5890	AQVLHLGHSAQ	10479	VLHLGHS	0.605932	0.104512
SyS89	1302	GCCCAAGGTGTTACTCAGACTCCGCGTGCACAG	5891	AQGVTQTPRAQ	10480	GVTQTPR	0.6059	0.243764
TS88	1303	GCCCAAACCAACGACACCAGAAGAATCGCACAG	5892	AQTNDTRRIAQ	10481	TNDTRRI	0.604587	1.419603
SyS90	1304	GCCCAACAAACCGACCACACCAGCAGAGCACAG	5893	AQQTDHTSRAQ	10482	QTDHTSR	0.604031	0.279435
TS90	1305	GCCCAAAAGAATGAGATTAAGAATGTGGCACAG	5894	AQKNEIKNVAQ	10483	KNEIKNV	0.603838	0.384157
GP49	1306	GCCCAATGGACTGGTAATGAGAGGCTTGCACAG	5895	AQWTGNERLAQ	10484	WTGNERL	0.603412	-0.0735
SyS91	1307	GCCCAAGGTAAGAGTGATGCTATGCGGGCACAG	5896	AQGKSDAMRAQ	10485	GKSDAMR	0.603322	0.227787
TS91	1308	GCCCAAGGGAATGCGACTCGTACTTATGCACAG	5897	AQGNATRTYAQ	10486	GNATRTY	0.602016	0.746216
SyS92	1309	GCCCAAGCCAGCAACCTCGGCCTCCCCGCACAG	5898	AQASNLGLPAQ	10487	ASNLGLP	0.600647	0.212421
SyS93	1310	GCCCAAAGCAGCCTCAGCGGCAGCCCCGCACAG	5899	AQSSLSGSPAQ	10488	SSLSGSP	0.599424	0.229985
SyS94	1311	GCCCAAGCCGCCGTCAACCAAGGCGTCGCACAG	5900	AQAAVNQGVAQ	10489	AAVNQGV	0.599283	0.365845
GS60	1312	GCCCAAGACCAAAACCAACCCAGAGAAGCACAG	5901	AQDQNQPREAQ	10490	DQNQPRE	0.59872	-0.04719
GS61	1313	GCCCAACTCACCCAAGACAAACAAGCCGCACAG	5902	AQLTQDKQAAQ	10491	LTQDKQA	0.59843	0.025835
SyS95	1314	GCCCAATTCGGCAGCAACGAACACAACGCACAG	5903	AQFGSNEHNAQ	10492	FGSNEHN	0.59773	0.246632
GS62	1315	GCCCAACTGAATCAGCCGAATGTGCGGGCACAG	5904	AQLNQPNVRAQ	10493	LNQPNVR	0.59703	-0.00684
TS92	1316	GCCCAAATGAATACTACGCGTAATCTGGCACAG	5905	AQMNTTRNLAQ	10494	MNTTRNL	0.596819	0.171297
TS93	1317	GCCCAAACTAATTCTACTAGGACGAGTGCACAG	5906	AQTNSTRTSAQ	10495	TNSTRTS	0.596817	0.587886
SyS96	1318	GCCCAATTTGAGCTTTCGGCATGTGCCTGCACAG	5907	AQFELSHVPAQ	10496	FELSHVP	0.595373	0.012267
SyS97	1319	GCCCAAGAAGGCCTCGGCAACGCCGCCGCACAG	5908	AQEGLGNAAAQ	10497	EGLGNAA	0.59339	-0.02116
SyS98	1320	GCCCAACTCACCGTCACCCTCAACCACGCACAG	5909	AQLTVTLNHAQ	10498	LTVTLNH	0.593104	0.120283
SyS99	1321	GCCCAATTTGGGAATGCGATTCAGTCTGCACAG	5910	AQFGNAIQSAQ	10499	FGNAIQS	0.593063	0.321334

도면33ai

SyS100	1322	GCCCAACCGGGTGGGGGTTTGACTCCGGCACAG	5911	AQPGGGLTPAQ	10500	PGGGLTP	0.591748	-0.07925
TS94	1323	GCCCAACCCAACATGACCAGAAGCCTCGCACAG	5912	AQPNMTRSLAQ	10501	PNMTRSL	0.591633	-0.10147
SyS101	1324	GCCCAAAGTCAGCTGCATAGGTTGCAGGCACAG	5913	AQSQLHRLQAQ	10502	SQLHRLQ	0.588997	-0.13052
SyS102	1325	GCCCAAAATGATCCTGTGCTGACTGTGGCACAG	5914	AQNDPVLTVAQ	10503	NDPVLTV	0.587622	-0.01116
TS96	1326	GCCCAAGAAAACAGCGTCAGAACCACCGCACAG	5915	AQENSVRTTAQ	10504	ENSVRTT	0.586872	0.975538
SyS103	1327	GCCCAAGATCGTGTGACTAATCCGAAGGCACAG	5916	AQDRVTNPKAQ	10505	DRVTNPK	0.585898	0.111333
GS63	1328	GCCCAACTCAACACCGGCCAAATGAGAGCACAG	5917	AQLNTGQMRAQ	10506	LNTGQMR	0.584482	-0.02938
SyS105	1329	GCCCAAATTAGTCCTTCTCAGGTGAAGGCACAG	5918	AQISPSQVKAQ	10507	ISPSQVK	0.583565	-0.06248
GS64	1330	GCCCAATACAGCGCCGACAAAACCACCGCACAG	5919	AQYSADKTTAQ	10508	YSADKTT	0.583168	0.057165
SyS106	1331	GCCCAAATTGATAGTGCGGGGATGGCGGCACAG	5920	AQIDSAGMAAQ	10509	IDSAGMA	0.582726	0.096381
GS65	1332	GCCCAAAGCAACAACATCAAACTCAACGCACAG	5921	AQSNNIKLNAQ	10510	SNNIKLN	0.582501	0.297073
GP50	1333	GCCCAACTTGAGACGCAGCCTAGGACTGCACAG	5922	AQLETQPRTAQ	10511	LETQPRT	0.582054	0.032491
SyS107	1334	GCCCAAAATTTGCATAGTAATGTGCTGGCACAG	5923	AQNLHSNVLAQ	10512	NLHSNVL	0.581653	-0.14757
SyS108	1335	GCCCAAATGGTCAAAGACACCCAACTCGCACAG	5924	AQMVKDTQLAQ	10513	MVKDTQL	0.581409	0.291903
SyS109	1336	GCCCAACTCATGCACCTCACCAACCCGCACAG	5925	AQLMHLTNPAQ	10514	LMHLTNP	0.579725	0.107144
GS66	1337	GCCCAAGTCGCCAGCCCCGACAAAAGAGCACAG	5926	AQVASPDKRAQ	10515	VASPDKR	0.579259	0.01036
SyS110	1338	GCCCAAGTCGTCGCCGTCCTCACCAGCGCACAG	5927	AQVVAVLTSAQ	10516	VVAVLTS	0.578391	-0.03811
SyS111	1339	GCCCAAAACATCATGGTCAACGTCCCCGCACAG	5928	AQNIMVNVPAQ	10517	NIMVNVP	0.578008	0.047622
GS67	1340	GCCCAACCGTATAGTGGGCAGCGGACTGCACAG	5929	AQPYSGQRTAQ	10518	PYSGQRT	0.577882	-0.09575
SyS112	1341	GCCCAACCTCTGCTTAAGACGAATACTGCACAG	5930	AQPLLKTNTAQ	10519	PLLKTNT	0.575523	-0.05536
TS97	1342	GCCCAAGGGAATACTACGGTGCGTGGGGCACAG	5931	AQGNTTVRGAQ	10520	GNTTVRG	0.574402	0.890696
TS98	1343	GCCCAAACCAACAAAGTCAGAGACGCACAG	5932	AQTNKVRDDAQ	10521	TNKVRDD	0.573889	1.07775
SyS113	1344	GCCCAACCCAGCACCGCCCTCCTCGTCGCACAG	5933	AQPSTALLVAQ	10522	PSTALLV	0.573034	-0.04799
SyS114	1345	GCCCAAATCCAAAGCATCACCCTCAAAGCACAG	5934	AQIQSITLKAQ	10523	IQSITLK	0.572783	0.036592
SyS115	1346	GCCCAACCCCTCCACGCCAACATGAGCGCACAG	5935	AQPLHANMSAQ	10524	PLHANMS	0.570881	0.092035
SyS116	1347	GCCCAAACCGCCCACGCCGAAGCCAGAGCACAG	5936	AQTAHAEARAQ	10525	TAHAEAR	0.570572	0.139128
SyS117	1348	GCCCAAACGAATACGGATTCGTATCGTGCACAG	5937	AQTNTDSYRAQ	10526	TNTDSYR	0.569365	0.111126
SyS118	1349	GCCCAAACCCACGTCAGCCTCGACAGAGCACAG	5938	AQTHVSLDRAQ	10527	THVSLDR	0.569228	0.375899
SyS119	1350	GCCCAATTTAGTACGAAGGATCATGTTGCACAG	5939	AQFSTKDHVAQ	10528	FSTKDHV	0.568654	0.276408
SyS120	1351	GCCCAAGACAACACCCAAACCGCCCCCGCACAG	5940	AQDNTQTAPAQ	10529	DNTQTAP	0.568553	0.088871
TS99	1352	GCCCAAAGCAACAGAATCATCAGCGGCGCACAG	5941	AQSNRIISGAQ	10530	SNRIISG	0.568551	0.92316
TS100	1353	GCCCAAACTAATTCTGTTAGGAATAATGCACAG	5942	AQTNSVRNNAQ	10531	TNSVRNN	0.568237	1.153418

도면33aj

TS101	1354	GCCCAAAGCAACGAAGTCAGAAACATGGCACAG	5943	AQSNEVRNMAQ	10532	SNEVRNM	0.567847	0.744396
SyS121	1355	GCCCAAGAACTCTACAAACCCAGCAGAGCACAG	5944	AQELVKPSRAQ	10533	ELYKPSR	0.567258	-0.07221
GS69	1356	GCCCAATGGATTACGGGGGGTGCGAGTGCACAG	5945	AQWITGGASAQ	10534	WITGGAS	0.567159	0.345096
TS102	1357	GCCCAAAACAACAGCGTCAGACCCACCGCACAG	5946	AQNNSVRPTAQ	10535	NNSVRPT	0.566945	0.624336
GS70	1358	GCCCAACACACCGCCGTCCTCAGAACCGCACAG	5947	AQHTAVLRTAQ	10536	HTAVLRT	0.565911	-0.03197
SyS122	1359	GCCCAAAATACTTTGTCTCTTGCTCCTGCACAG	5948	AQNTLSLAPAQ	10537	NTLSLAP	0.564955	0.155579
SyS123	1360	GCCCAACCCAACGCCAGCGTCAACAGCGCACAG	5949	AQPNASVNSAQ	10538	PNASVNS	0.564885	0.097515
GS71	1361	GCCCAAGTTACTGGTGGGAATACTTATGCACAG	5950	AQVTGGNTYAQ	10539	VTGGNTY	0.564099	-0.05591
SyS124	1362	GCCCAAGTCAACGAAAACCTCATCGAAGCACAG	5951	AQVNENLIEAQ	10540	VNENLIE	0.563902	-0.13408
SyS125	1363	GCCCAAGTTTTGACGACTCATTCGAATGCACAG	5952	AQVLTTHSNAQ	10541	VLTTHSN	0.563552	-0.14541
GS72	1364	GCCCAACACACCCAACTCCCCCTCACCGCACAG	5953	AQHTQLPLTAQ	10542	HTQLPLT	0.562802	-0.07685
SyS126	1365	GCCCAACGGCAGTCTCTTGAGGCGTTGGCACAG	5954	AQRQSLEALAQ	10543	RQSLEAL	0.562715	-0.07009
SyS127	1366	GCCCAACCCGACGTCACCGAAGGCAGAGCACAG	5955	AQPDVTEGRAQ	10544	PDVTEGR	0.560929	-0.0307
SyS128	1367	GCCCAACCGACTAATATTATGCTTGATGCACAG	5956	AQPTNIMLDAQ	10545	PTNIMLD	0.560313	-0.07894
SyS129	1368	GCCCAACCCAACATGAGCGCCATGATCGCACAG	5957	AQPNMSAMIAQ	10546	PNMSAMI	0.559451	0.270198
SyS130	1369	GCCCAAATTATGAATGGTCAGGCTCTGGCACAG	5958	AQIMNGQALAQ	10547	IMNGQAL	0.558677	0.015194
TS103	1370	GCCCAAAATAATAATTCGACGCGTTTTGCACAG	5959	AQNNNSTRFAQ	10548	NNNSTRF	0.558656	0.432697
TS104	1371	GCCCAAGCCAACGTCACCAGAAGCACCGCACAG	5960	AQANVTRSTAQ	10549	ANVTRST	0.558653	0.70621
SyS131	1372	GCCCAACAGAATCTTGGTCTTAATGTGGCACAG	5961	AQQNLGLNVAQ	10550	QNLGLNV	0.558202	-0.12084
SyS132	1373	GCCCAACAAGCCCAAATGAGCAGCGCCGCACAG	5962	AQQAQMSSAAQ	10551	QAQMSSA	0.557238	0.147605
SyS133	1374	GCCCAACTCACCATGGCCACCAACGTCGCACAG	5963	AQLTMATNVAQ	10552	LTMATNV	0.556779	0.286866
SyS134	1375	GCCCAAGATCGTGATTCTGTGCAGAATGCACAG	5964	AQDRDSVQNAQ	10553	DRDSVQN	0.55654	-0.05483
GS73	1376	GCCCAAGTCAACCCACCAACAACCTCGGCACAG	5965	AQVNPTNNLAQ	10554	VNPTNNL	0.555076	-0.00968
GP51	1377	GCCCAACCGTCTTTTACGACTATGAGTGCACAG	5966	AQPSFTTMSAQ	10555	PSFTTMS	0.554811	0.065283
GS74	1378	GCCCAAAGGGAGACGCCTATTCCTAAGGCACAG	5967	AQRETPIPKAQ	10556	RETPIPK	0.553803	-0.0639
SyS135	1379	GCCCAAAGCCTCAACTTCACCACCGCCGCACAG	5968	AQSLNFTTAAQ	10557	SLNFTTA	0.553055	0.475212
SyS136	1380	GCCCAAGGTATGAGTGGGGTTGCTCAGGCACAG	5969	AQGMSGVAQAQ	10558	GMSGVAQ	0.552736	-0.0578
GP52	1381	GCCCAAAAGGTTGATGCGGCTCAGAGTGCACAG	5970	AQKVDAAQSAQ	10559	KVDAAQS	0.552569	0.100209
GS75	1382	GCCCAACATATTACGACTAATGTGTCTGCACAG	5971	AQHITTNVSAQ	10560	HITTNVS	0.552479	0.112469
SyP32	1383	GCCCAAGAGCGGGAGTCGGCTCGTCTTGCACAG	5972	AQERESARLAQ	10561	ERESARL	0.551876	-0.04251
TS106	1384	GCCCAAGATAATAGGACTCAGAGGACGGCACAG	5973	AQDNRTQRTAQ	10562	DNRTQRT	0.551636	0.853173
SyS137	1385	GCCCAATCTGCGCCTAATGTGACTATTGCACAG	5974	AQSAPNVTIAQ	10563	SAPNVTI	0.551278	0.041441

도면33ak

TS107	1386	GCCCAAGAAAACGGCACCAGAAACACCGCACAG	5975	AQENGTRNTAQ	10564	ENGTRNT	0.55012	0.5646
SyS138	1387	GCCCAAGGCACCGCGTCTTCACCGCCGCACAG	5976	AQGTAVFTAAQ	10565	GTAVFTA	0.549912	0.15966
SyS139	1388	GCCCAAGCCAACAACATGAGCCAAACCGCACAG	5977	AQANNMSQTAQ	10566	ANNMSQT	0.549519	0.239635
TS108	1389	GCCCAAGGTAATCATACTTATAATCTGGCACAG	5978	AQGNHTYNLAQ	10567	GNHTYNL	0.549264	-0.25467
GP53	1390	GCCCAACTGAGTCCTTCGAATTCTAATGCACAG	5979	AQLSPSNSNAQ	10568	LSPSNSN	0.549019	-0.07079
SyS140	1391	GCCCAAATGGGCGCCGACCACAGAACCGCACAG	5980	AQMGADHRTAQ	10569	MGADHRT	0.548749	0.159265
TS109	1392	GCCCAAAGTAATTCGACGCGTGGTTCTGCACAG	5981	AQSNSTRGSAQ	10570	SNSTRGS	0.548705	0.187139
SyS141	1393	GCCCAAAATACTTCTGGTGTGCCTAAGGCACAG	5982	AQNTSGVPKAQ	10571	NTSGVPK	0.548579	-0.08828
GS78	1394	GCCCAAATCAACACCGCCGTCGTCAGCGCACAG	5983	AQINTAVVSAQ	10572	INTAVVS	0.54846	-0.10485
SyS142	1395	GCCCAAATGGGGGTTCAGGCTTATGTGGCACAG	5984	AQMGVQAYVAQ	10573	MGVQAYV	0.54845	-0.12925
TS110	1396	GCCCAAGGGAATTTTGTTAAGCCGAATGCACAG	5985	AQGNFVKPNAQ	10574	GNFVKPN	0.547942	0.278497
TS111	1397	GCCCAAGTGAATTCGGTGAGGATGATTGCACAG	5986	AQVNSVRMIAQ	10575	VNSVRMI	0.547171	0.096718
GS79	1398	GCCCAACACGACAGCGCCAACAGCAGAGCACAG	5987	AQHDSANSRAQ	10576	HDSANSR	0.54671	-0.08012
SyS143	1399	GCCCAACTCGGCGTCAGAGACGACAGCGCACAG	5988	AQLGVRDDSAQ	10577	LGVRDDS	0.545708	-0.07131
TS113	1400	GCCCAAAGCAACGCCGTCAGAGCCAACGCACAG	5989	AQSNAVRANAQ	10578	SNAVRAN	0.545674	0.453866
SyS144	1401	GCCCAACCCGTCCTCGCCGCCACCATGGCACAG	5990	AQPVLAATMAQ	10579	PVLAATM	0.545458	-0.13314
GP54	1402	GCCCAAAATAAGCCTGTGTCTGGTAATGCACAG	5991	AQNKPVSGNAQ	10580	NKPVSGN	0.544076	0.079545
SyS145	1403	GCCCAAGTCGGCCTCGCCAGCCACACCGCACAG	5992	AQVGLASHTAQ	10581	VGLASHT	0.541637	-0.04601
SyS146	1404	GCCCAAGGCAGCAACACCAACATGAAAGCACAG	5993	AQGSNTNMKAQ	10582	GSNTNMK	0.540634	0.026539
GS81	1405	GCCCAAGTTGCTACTACTGTGCATAATGCACAG	5994	AQVATTVHNAQ	10583	VATTVHN	0.540191	-0.11662
GS82	1406	GCCCAAAACACCCTCGACAGCAGAGTCGCACAG	5995	AQNTLDSRVAQ	10584	NTLDSRV	0.539923	-0.05177
SyS147	1407	GCCCAAAGGGAGGCTAATTTGCAGGCGGCACAG	5996	AQREANLQAAQ	10585	REANLQA	0.539717	0.293254
SyS148	1408	GCCCAAGTCGACGCCCTCAGCCACATGGCACAG	5997	AQVDALSHMAQ	10586	VDALSHM	0.539694	0.216373
GS83	1409	GCCCAACTTCGTCTTGCTGGTCTTGCTGCACAG	5998	AQLRLAGLAAQ	10587	LRLAGLA	0.539525	-0.09739
GP55	1410	GCCCAAATTACGGTGACTAATTATTCGGCACAG	5999	AQITVTNYSAQ	10588	ITVTNYS	0.539447	0.273677
SyS149	1411	GCCCAATGGGACAGCGGCAGCGGCGAAGCACAG	6000	AQWDSGSGEAQ	10589	WDSGSGE	0.539198	-0.07979
SyS150	1412	GCCCAATTCGCCAGCGAAACCGTCGCCGCACAG	6001	AQFASETVAAQ	10590	FASETVA	0.537906	-0.02698
SyS151	1413	GCCCAACAGAATGTTACGGGGACGAGGGCACAG	6002	AQQNVTGTRAQ	10591	QNVTGTR	0.537867	0.272466
SyS152	1414	GCCCAACTTAATGGGTTGAATGTGTCTGCACAG	6003	AQLNGLNVSAQ	10592	LNGLNVS	0.537505	-0.02999
GS84	1415	GCCCAAAATATGCTTAAGCAGAGTGAGGCACAG	6004	AQNMLKQSEAQ	10593	NMLKQSE	0.537354	-0.06179
SyS153	1416	GCCCAATTTAATGAGGTTCCGAAGGCGGCACAG	6005	AQFNEVPKAAQ	10594	FNEVPKA	0.537144	-0.03003
SyS154	1417	GCCCAACTCGGCGACATCACCGGCTTCGCACAG	6006	AQLGDITGFAQ	10595	LGDITGF	0.537047	-0.10198

도면33a1

SyS155	1418	GCCCAAATTTCGGCTTCTCATTCTCGTGCACAG	6007	AQISASHSRAQ	10596	ISASHSR	0.536983	-0.06923
SyS156	1419	GCCCAAAGTCAGACGCAGATTGCTCTTGCACAG	6008	AQSQTQIALAQ	10597	SQTQIAL	0.53684	-0.07569
SyS157	1420	GCCCAAAATATGGCTACTCAGATGAAGGCACAG	6009	AQNMATQMKAQ	10598	NMATQMK	0.536747	-0.11797
SyS158	1421	GCCCAAGTCAACCACACAACATCAGACTCGCACAG	6010	AQVNHNIRLAQ	10599	VNHNIRL	0.53652	-0.01096
SyS159	1422	GCCCAAAACGCCCTCCAAGTCCCGTCGCACAG	6011	AQNALQVPVAQ	10600	NALQVPV	0.536474	0.059794
SyS160	1423	GCCCAAAATTCGACGGGTATTGATACGGCACAG	6012	AQNSTGIDTAQ	10601	NSTGIDT	0.53526	-0.06524
SyS161	1424	GCCCAAGTTGTTGCTGGGCATCTTAATGCACAG	6013	AQVVAGHLNAQ	10602	VVAGHLN	0.534827	-0.11989
SyS162	1425	GCCCAACGGAATGATGCGATTCTGAATGCACAG	6014	AQRNDAILNAQ	10603	RNDAILN	0.53456	0.251531
GS85	1426	GCCCAAAATCGGGTTGATTCGCGGGCTGCACAG	6015	AQNRVDSRAAQ	10604	NRVDSRA	0.53408	0.01415
GS86	1427	GCCCAATCGACGCATTCTACTTATGTGGCACAG	6016	AQSTHSTYVAQ	10605	STHSTYV	0.533753	-0.09066
SyS164	1428	GCCCAAAGTGGGCATGGGACTCTGCGGGCACAG	6017	AQSGHGTLRAQ	10606	SGHGTLR	0.532267	-0.1652
SyS165	1429	GCCCAACCCAACAGCACCACCCTCAGCGCACAG	6018	AQPNSTTLSAQ	10607	PNSTTLS	0.531723	-0.01811
GS87	1430	GCCCAAGACACCAAACCCACCAACACCGCACAG	6019	AQDTKPTNTAQ	10608	DTKPTNT	0.531589	0.18326
SyS166	1431	GCCCAAAACAGAGACACCATCAACAACGCACAG	6020	AQNRDTINNAQ	10609	NRDTINN	0.531212	0.532142
GS88	1432	GCCCAACCCAGAACCCTCAGCGACGGCGCACAG	6021	AQPRTLSDGAQ	10610	PRTLSDG	0.530962	0.113902
GS89	1433	GCCCAAACCAAAGACGTCACCACCAGCGCACAG	6022	AQTKDVTTSAQ	10611	TKDVTTS	0.53023	-0.05088
SS31	1434	GCCCAACTGGGTAATCCTACGCCTTCTGCACAG	6023	AQLGNPTPSAQ	10612	LGNPTPS	0.529624	-0.27772
GP56	1435	GCCCAATATCAGGCGATGTATAGGGATGCACAG	6024	AQYQAMYRDAQ	10613	YQAMYRD	0.528592	0.013767
GS90	1436	GCCCAAAGCGGCGTCCAAGAATTCGACGCACAG	6025	AQSGVQEFDAQ	10614	SGVQEFD	0.528493	-0.16214
SyS167	1437	GCCCAATCTAATCATCTGTCGACGGTTGCACAG	6026	AQSNHLSTVAQ	10615	SNHLSTV	0.528046	0.269982
SyS168	1438	GCCCAACACGACGAAAGAGCCAACATGGCACAG	6027	AQHDERANMAQ	10616	HDERANM	0.526932	0.005367
TS114	1439	GCCCAAACGAATAGTACTCGGTCGCCTGCACAG	6028	AQTNSTRSPAQ	10617	TNSTRSP	0.526707	0.094198
SP27	1440	GCCCAACCGACGGATAAGTCTTATCCGGCACAG	6029	AQPTDKSYPAQ	10618	PTDKSYP	0.525687	-0.03596
SyS170	1441	GCCCAAATGACCGAACAAAGAACCGCCGCACAG	6030	AQMTEQRTAAQ	10619	MTEQRTA	0.524729	0.151606
GS92	1442	GCCCAAACCAACGCCACCCACAGCAAAGCACAG	6031	AQTNATHSKAQ	10620	TNATHSK	0.523113	0.600566
GP58	1443	GCCCAAAATCGGGGTACTTTTAGTGCGGCACAG	6032	AQNRGTFSAAQ	10621	NRGTFSA	0.522986	-0.0735
TS115	1444	GCCCAAAACACCACCAAATTCAACACCGCACAG	6033	AQNTTKFNTAQ	10622	NTTKFNT	0.522899	0.168453
SyS171	1445	GCCCAAGGGATTCCGCCTTTGACTAAGGCACAG	6034	AQGIPPLTKAQ	10623	GIPPLTK	0.522659	0.148866
SyS172	1446	GCCCAAACCGCCAACAGCACCCAAAGAGCACAG	6035	AQTANSTQRAQ	10624	TANSTQR	0.522626	0.365056
SyS173	1447	GCCCAAACTCAGGGTCCGGGTCCGAAGGCACAG	6036	AQTQGPGPKAQ	10625	TQGPGPK	0.522239	0.297383
TS116	1448	GCCCAAATGAATACTACGCGGAATTATGCACAG	6037	AQMNTTRNYAQ	10626	MNTTRNY	0.522193	0.354477
GS94	1449	GCCCAACTCAGAGAAGGCACCTTCATGGCACAG	6038	AQLREGTFMAQ	10627	LREGTFM	0.521554	-0.02029

도면33am

SyS174	1450	GCCCAAAACATCAGCAGCACCGACAGAGCACAG	6039	AQNISSTDRAQ	10628	NISSTDR	0.521154	0.307406
SyP33	1451	GCCCAATCGGTTAGTCGGCCGTTTCAGGCACAG	6040	AQSVSRPFQAQ	10629	SVSRPFQ	0.520365	-0.03773
GS96	1452	GCCCAACCTATGTCTGCTAATGGGAAGGCACAG	6041	AQPMSANGKAQ	10630	PMSANGK	0.518792	-0.0464
SyS175	1453	GCCCAAGAAGTCAGAGGCAACACCTTCGCACAG	6042	AQEVRGNTFAQ	10631	EVRGNTF	0.518514	0.312168
GS97	1454	GCCCAATCGCAGAAGGGTCTGTCTGTGGCACAG	6043	AQSQKGLSVAQ	10632	SQKGLSV	0.518477	-0.04267
SyS176	1455	GCCCAAATTGCTGAGAATCTGAGTGCTGCACAG	6044	AQIAENLSAAQ	10633	IAENLSA	0.517935	-0.10864
SyS177	1456	GCCCAATTCAGCAACATGAACCTCAAAGCACAG	6045	AQFSNMNLKAQ	10634	FSNMNLK	0.517734	-0.05191
GP59	1457	GCCCAACCTCGTGAGCGGACTTATACTGCACAG	6046	AQPRERTYTAQ	10635	PRERTYT	0.516835	0.003871
GS99	1458	GCCCAATGGTCGCATAATCCGGATTCTGCACAG	6047	AQWSHNPDSAQ	10636	WSHNPDS	0.516248	-0.11545
GP60	1459	GCCCAAGGTCTTCAGACTCTGATTACGGCACAG	6048	AQGLQTLITAQ	10637	GLQTLIT	0.516123	0.282215
TS117	1460	GCCCAAAGCAACAGAACCAAAGACATCGCACAG	6049	AQSNRTKDIAQ	10638	SNRTKDI	0.515515	0.733669
SyS179	1461	GCCCAAGTGACTGAGACGATTCTTAAGGCACAG	6050	AQVTETILKAQ	10639	VTETILK	0.515459	-0.16223
GS100	1462	GCCCAATATGTTACGCGTAGTGGTCTGGCACAG	6051	AQYVTRSGLAQ	10640	YVTRSGL	0.515319	-0.09386
SS32	1463	GCCCAAATGAACGCCAACATCCTCGTCGCACAG	6052	AQMNANILVAQ	10641	MNANILV	0.514679	-0.31431
GP61	1464	GCCCAAACTACGAATCGGGTGGGTACGGCACAG	6053	AQTTNRVGTAQ	10642	TTNRVGT	0.51427	-0.05638
GS101	1465	GCCCAAGTCCTCAAAAGCCACCTCCAAGCACAG	6054	AQVLKSHLQAQ	10643	VLKSHLQ	0.51406	-0.01612
SyS180	1466	GCCCAAAGCGACGGCCTCAGAACCCAAGCACAG	6055	AQSDGLRTQAQ	10644	SDGLRTQ	0.514048	-0.0323
TS118	1467	GCCCAACTCAACAGCGTCAAACCCAACGCACAG	6056	AQLNSVKPNAQ	10645	LNSVKPN	0.513525	-0.03938
SS33	1468	GCCCAAAGCCAAGCCATCGCCCCCAAAGCACAG	6057	AQSQAIAPKAQ	10646	SQAIAPK	0.51343	-0.30374
TS119	1469	GCCCAATCTAATAATGTTCGTGCTCCGGCACAG	6058	AQSNNVRAPAQ	10647	SNNVRAP	0.513257	0.427193
SyS182	1470	GCCCAAATCAGCCACCTCAGCGAAAGCGCACAG	6059	AQISHLSESAQ	10648	ISHLSES	0.511503	0.085806
SyS183	1471	GCCCAACTCCTCCCCGGCATGAGATTCGCACAG	6060	AQLLPGMRFAQ	10649	LLPGMRF	0.5114	-0.16587
GS102	1472	GCCCAACTTCTTGCGTCGGCTACGAAGGCACAG	6061	AQLLASATKAQ	10650	LLASATK	0.510718	0.025387
SS34	1473	GCCCAAAACCACAACGGCATGGTCAGCGCACAG	6062	AQNHNGMVSAQ	10651	NHNGMVS	0.510709	-0.38341
GS103	1474	GCCCAACACAGCGGCGAACTCAACAACGCACAG	6063	AQHSGELNNAQ	10652	HSGELNN	0.510488	-0.05547
GS104	1475	GCCCAACTTTCTGCGCCTAAGGATACTGCACAG	6064	AQLSAPKDTAQ	10653	LSAPKDT	0.509967	-0.10921
SyS184	1476	GCCCAAATTGGGACTCATGTGGGGACGGCACAG	6065	AQIGTHVGTAQ	10654	IGTHVGT	0.509748	-0.17337
SyS185	1477	GCCCAAGCCGTCGCCCTCGCCAGCGCCGCACAG	6066	AQAVALASAAQ	10655	AVALASA	0.509614	-0.02018
SyS186	1478	GCCCAAATTACTCTTCAGTCTAATGCTGCACAG	6067	AQITLQSNAAQ	10656	ITLQSNA	0.509556	0.125675
SyS187	1479	GCCCAAGTCGACCACAGCCTCACCAGCGCACAG	6068	AQVDHSLTSAQ	10657	VDHSLTS	0.509193	-0.04316
SyS188	1480	GCCCAAGGCAACGAAGCCACCAGCCTCGCACAG	6069	AQGNEATSLAQ	10658	GNEATSL	0.508729	-0.04706
SyS189	1481	GCCCAACCCGTCAGCAGCACCACCCTCGCACAG	6070	AQPVSSTTLAQ	10659	PVSSTTL	0.507682	0.051712

도면33an

SyS190	1482	GCCCAACCCTACCAAACCAGCAGCGCCGCACAG	6071	AQPYQTSSAAQ	10660	PYQTSSA	0.507351	-0.04626
GS105	1483	GCCCAAACCAGCGTCGTCAGCGCCTTCGCACAG	6072	AQTSVVSAFAQ	10661	TSVVSAF	0.507058	-0.11758
SyS191	1484	GCCCAAAACGGCGTCCCCGACAACAACGCACAG	6073	AQNGVPDNNAQ	10662	NGVPDNN	0.50693	0.070537
SyS192	1485	GCCCAAAGCACCCAAACCATCGGCTTCGCACAG	6074	AQSTQTIGFAQ	10663	STQTIGF	0.505905	0.112417
GP62	1486	GCCCAAATTCGGAGTTCTGATCTTGCGGCACAG	6075	AQIRSSDLAAQ	10664	IRSSDLA	0.505273	0.288145
GS106	1487	GCCCAAAACACCCAAAGCGCCAAATACGCACAG	6076	AQNTQSAKYAQ	10665	NTQSAKY	0.504002	-0.02585
GS107	1488	GCCCAAAGTCTTGAGTCGTCTAGGCAGGCACAG	6077	AQSLESSRQAQ	10666	SLESSRQ	0.503575	-0.02602
GS108	1489	GCCCAACTCAACCTCGCCAGCGGCAGAGCACAG	6078	AQLNIASGRAQ	10667	LNIASGR	0.503463	0.027635
GS110	1490	GCCCAAATGCAAGGAGCGTCGGGAGTATGCACAG	6079	AQMQERREYAQ	10668	MQERREY	0.503055	-0.00468
GS111	1491	GCCCAATGGCTCCTCAAAGACGGCTACGCACAG	6080	AQWLLKDGYAQ	10669	WLLKDGY	0.502893	-0.11186
GS112	1492	GCCCAAGGCAGATACCAAACCACCAGCGCACAG	6081	AQGRYQTTSAQ	10670	GRYQTTS	0.502776	0.049992
TS120	1493	GCCCAAAATACGACGAAGTTTCGTTTGCACAG	6082	AQNTTKFPFAQ	10671	NTTKFPF	0.502408	-0.33072
SyS193	1494	GCCCAAATGAGCAACGGCATCAGCAGAGCACAG	6083	AQMSNGISRAQ	10672	MSNGISR	0.501897	0.448521
GP65	1495	GCCCAACCGATTCGGGATCCGGAGAAGGCACAG	6084	AQPIRDPEKAQ	10673	PIRDPEK	0.501479	-0.07322
SyS194	1496	GCCCAAAGTACGCTGAGTCCGCATGTTGCACAG	6085	AQSTLSPHVAQ	10674	STLSPHV	0.501315	0.165485
GS113	1497	GCCCAATTCATGCCCATCAGCAGCGCCGCACAG	6086	AQFMPISSAAQ	10675	FMPISSA	0.50124	-0.12446
SS35	1498	GCCCAAAGAAGCGACACCCAAAGCAGCGCACAG	6087	AQRSDTQSSAQ	10676	RSDTQSS	0.500462	-0.28596
GS114	1499	GCCCAAGATAATCATGTTATGGCTCGTGCACAG	6088	AQDNHVMARAQ	10677	DNHVMAR	0.499435	0.39719
GS115	1500	GCCCAAAATCTGTCTTCTAAGAGTTGGGCACAG	6089	AQNLSSKSWAQ	10678	NLSSKSW	0.499211	-0.15138
SyS195	1501	GCCCAATCTACGATTCTGAAGGATACTGCACAG	6090	AQSTILKDTAQ	10679	STILKDT	0.499066	-0.11454
GS116	1502	GCCCAACCTACTCATCAGTCTAAGCCGGGCACAG	6091	AQPTHQSKPAQ	10680	PTHQSKP	0.498305	-0.04153
SyS196	1503	GCCCAAACGGAGGTGACTCAGAATAAGGCACAG	6092	AQTEVTQNKAQ	10681	TEVTQNK	0.498059	-0.01173
SyS197	1504	GCCCAACACCTCGACAGCAACGGCAGCGCACAG	6093	AQHLDSNGSAQ	10682	HLDSNGS	0.496498	-0.10873
GP66	1505	GCCCAAAATACTGATTCTCGTGTGGGGGCACAG	6094	AQNTDSRVGAQ	10683	NTDSRVG	0.496267	0.009692
SyS198	1506	GCCCAAAGCATGGGCCTCAAAGAAAAGCACAG	6095	AQSMGLKEKAQ	10684	SMGLKEK	0.495749	-0.04266
SyS199	1507	GCCCAATTGAGTACGTCGTATACTCGGGCACAG	6096	AQLSTSYTRAQ	10685	LSTSYTR	0.495598	0.048715
SyS200	1508	GCCCAATCTGGGATGAGTAATAATCATGCACAG	6097	AQSGMSNNHAQ	10686	SGMSNNH	0.494806	-0.1025
GS117	1509	GCCCAAACCAACTACGACCTCAGAGCCGCACAG	6098	AQTNYDLRAAQ	10687	TNYDLRA	0.494623	-0.03099
SyS201	1510	GCCCAAACCCCCCAAAGCCAAGAAATGGCACAG	6099	AQTPQSQEMAQ	10688	TPQSQEM	0.494147	0.127468
SyS202	1511	GCCCAAAATAGTAATATGGTTACGCCTGCACAG	6100	AQNSNMVTPAQ	10689	NSNMVTP	0.493868	-0.16466
SyS203	1512	GCCCAATCGGCTGTTCCGAATGTTAAGGCACAG	6101	AQSAVPNVKAQ	10690	SAVPNVK	0.493528	0.157825
SyS204	1513	GCCCAAGTCCTCGTCGCCGGCAGCAGAGCACAG	6102	AQVLVAGSRAQ	10691	VLVAGSR	0.492961	0.099713

도면33ao

TS122	1514	GCCCAAGGCAACAACAGCAGAAACATGGCACAG	6103	AQGNNSRNMAQ	10692	GNNSRNM	0.492799	1.174147
GP67	1515	GCCCAAATGCCTAGGGGTCATGTTTCGGCACAG	6104	AQMPRGHVSAQ	10693	MPRGHVS	0.492205	-0.07405
SyS205	1516	GCCCAATGGAGCCACAGCGAAAACAGCGCACAG	6105	AQWSHSENSAQ	10694	WSHSENS	0.492196	-0.02126
SyS206	1517	GCCCAATTTGAGAAGGATCCTGTGGCTGCACAG	6106	AQFEKDPVAAQ	10695	FEKDPVA	0.492179	-0.15574
GS119	1518	GCCCAAATTACTCAGGCTACTCCTAGTGCACAG	6107	AQITQATPSAQ	10696	ITQATPS	0.491986	-0.03869
SyS207	1519	GCCCAAGCCAACCTCAGCCACCTCCACGCACAG	6108	AQANLSHLHAQ	10697	ANLSHLH	0.491822	0.025681
SyS208	1520	GCCCAAGGCATCACCAACAGCACCATCGCACAG	6109	AQGITNSTIAQ	10698	GITNSTI	0.491721	0.067512
SyS209	1521	GCCCAACCGTCTCAGCAGCCTACTAGGGCACAG	6110	AQPSQQPTRAQ	10699	PSQQPTR	0.491643	-0.04338
GP68	1522	GCCCAACAGCAGACGCATGAGGATATTGCACAG	6111	AQQQTHEDIAQ	10700	QQTHEDI	0.491168	0.319954
GS120	1523	GCCCAACAGGTTAATGTGTCTCCGGATGCACAG	6112	AQQVNVSPDAQ	10701	QVNVSPD	0.491095	-0.10138
GS121	1524	GCCCAAAAAGCCGTCGTCACCCAAACCGCACAG	6113	AQKAVVTQTAQ	10702	KAVVTQT	0.490849	0.028741
GS122	1525	GCCCAAAATACTGTGAGGTCGTCGACTGCACAG	6114	AQNTVRSSTAQ	10703	NTVRSST	0.4904	-0.06069
SyS210	1526	GCCCAAAACGCCAGCAGCCACCTCCTCGCACAG	6115	AQNASSHLLAQ	10704	NASSHLL	0.490369	0.136447
SyS211	1527	GCCCAATACATCAAAGACAGCACCCCCGCACAG	6116	AQYIKDSTPAQ	10705	YIKDSTP	0.490186	0.300211
GS123	1528	GCCCAAAGCAGCGAAAGCACCAACCTCGCACAG	6117	AQSSESTNLAQ	10706	SSESTNL	0.490052	-0.11765
SyS212	1529	GCCCAAAAAGAAAACGTCGAAGGCAACGCACAG	6118	AQKENVEGNAQ	10707	KENVEGN	0.489872	-0.03302
GS124	1530	GCCCAAAACAACGTCCTCGGCACCCCCGCACAG	6119	AQNNVLGTPAQ	10708	NNVLGTP	0.488512	-0.01901
SyS213	1531	GCCCAACAGAATGTTAGTATTTTGGATGCACAG	6120	AQQNVSILDAQ	10709	QNVSILD	0.48837	-0.0119
SyS214	1532	GCCCAACCTCTGAATTCTGAGAATAATGCACAG	6121	AQPLNSENNAQ	10710	PLNSENN	0.48837	-0.05918
SyS215	1533	GCCCAAACGATTAATCTGGTTGGGTATGCACAG	6122	AQTINLVGYAQ	10711	TINLVGY	0.48837	-0.12222
SyS216	1534	GCCCAACCGGCGTTGGCTGCTCAGGCTGCACAG	6123	AQPALAAQAAQ	10712	PALAAQA	0.48837	-0.18527
SyS217	1535	GCCCAAACTTTGCAGAATTCGATTACGGCACAG	6124	AQTLQNSITAQ	10713	TLQNSIT	0.488231	0.404837
SyS218	1536	GCCCAATTGGGTGGGACGGATGGTCATGCACAG	6125	AQLGGTDGHAQ	10714	LGGTDGH	0.488086	0.359793
SyS219	1537	GCCCAAGCCGGCCCCATCAACAACACCGCACAG	6126	AQAGPINNTAQ	10715	AGPINNT	0.487009	-0.04018
SyS220	1538	GCCCAACATGTTCTTACGCAGTCGGTTGCACAG	6127	AQHVLTQSVAQ	10716	HVLTQSV	0.486848	-0.08758
SyS221	1539	GCCCAAACCACCATCCCCAGCCACCAAGCACAG	6128	AQTTIPSHQAQ	10717	TTIPSHQ	0.486769	0.226515
SyS222	1540	GCCCAACACGACGGCCTCCTCAGCAGAGCACAG	6129	AQHDGLLSRAQ	10718	HDGLLSR	0.4866	-0.01772
SyS223	1541	GCCCAAAGCATCCACACCGGCCTCACCGCACAG	6130	AQSIHTGLTAQ	10719	SIHTGLT	0.486103	0.205807
TS123	1542	GCCCAAGGGAATATGACTAAGTTTACTGCACAG	6131	AQGNMTKFTAQ	10720	GNMTKFT	0.486051	0.259785
SyS224	1543	GCCCAATATGCTTTGAGTACTGATACGGCACAG	6132	AQYALSTDTAQ	10721	YALSTDT	0.485653	-0.07425
SyS225	1544	GCCCAAACCCAAGCCGACAACCTCAAAGCACAG	6133	AQTQADNLKAQ	10722	TQADNLK	0.485417	0.113729
SyS226	1545	GCCCAATGGTACAAAACCCTCGACGCCGCACAG	6134	AQWYKTLDAAQ	10723	WYKTLDA	0.485398	-0.10234

도면33ap

GS126	1546	GCCCAACCCCAATACGCCAAAATCAGCGCACAG	6135	AQPQYAKISAQ	10724	PQYAKIS	0.485373	-0.12737
SyS227	1547	GCCCAACTCGCCACCGACAACAAAAGCGCACAG	6136	AQLATDNKSAQ	10725	LATDNKS	0.485187	0.216017
SyS228	1548	GCCCAACTCAGCGTCGTCATCACCAGCGCACAG	6137	AQLSVVITSAQ	10726	LSVVITS	0.484761	-0.14162
SyS229	1549	GCCCAAAATGTGCCGACTTCGCCGCGGGCACAG	6138	AQNVPTSPRAQ	10727	NVPTSPR	0.484481	-0.00571
SyS230	1550	GCCCAAGCCAGACCCGACCTCAAACTCGCACAG	6139	AQARPDLKLAQ	10728	ARPDLKL	0.484242	0.080867
SyS231	1551	GCCCAAAGCGCCCTCGCCAACACCCTCGCACAG	6140	AQSALANTLAQ	10729	SALANTL	0.483363	0.057201
SyS232	1552	GCCCAACTCATGGACTTCAGCAACCCCGCACAG	6141	AQLMDFSNPAQ	10730	LMDFSNP	0.483298	0.044546
SyS233	1553	GCCCAACCTCGGACGGAGTTGATTAGTGCACAG	6142	AQPRTELISAQ	10731	PRTELIS	0.483008	0.271785
SyS234	1554	GCCCAAACCAGCGGACATCAAAAGCAAAGCACAG	6143	AQTSDIKSKAQ	10732	TSDIKSK	0.482661	0.009004
GS127	1555	GCCCAAAGCAACGCCACCATGAGATTCGCACAG	6144	AQSNATMRFAQ	10733	SNATMRF	0.482544	0.332692
SyS235	1556	GCCCAAGTCCAAAGCCCCGCCCTCCAAGCACAG	6145	AQVQSPALQAQ	10734	VQSPALQ	0.482506	-0.10268
SS37	1557	GCCCAAACCGCCAACACCACCAGCAGAGCACAG	6146	AQTANTTSRAQ	10735	TANTTSR	0.481309	-0.14344
GS128	1558	GCCCAACACACATGACCAGCCAAATCGCACAG	6147	AQQHMTSQIAQ	10736	QHMTSQI	0.481226	0.067575
GS129	1559	GCCCAAAGTAATATGTCGTTGAGTAGTGCACAG	6148	AQSNMSLSSAQ	10737	SNMSLSS	0.481136	-0.01785
SyS237	1560	GCCCAAATTACGGGGATTCCGACGTCGGCACAG	6149	AQITGIPTSAQ	10738	ITGIPTS	0.480328	0.061154
GS130	1561	GCCCAATTTACTAATAATGTGAGGGATGCACAG	6150	AQFTNNVRDAQ	10739	FTNNVRD	0.480193	0.04554
SyS238	1562	GCCCAAAACAGCAACGCCGGCGGCAAAGCACAG	6151	AQNSNAGGKAQ	10740	NSNAGGK	0.479053	0.658688
SyS239	1563	GCCCAATACAACACCGACATCACCAAAGCACAG	6152	AQYNTDITKAQ	10741	YNTDITK	0.478109	0.317854
SyS240	1564	GCCCAATTTTCGAATCCGGATAAGATGGCACAG	6153	AQFSNPDKMAQ	10742	FSNPDKM	0.477665	-0.02779
SyS241	1565	GCCCAACTCATGACCACCAGCACCATCGCACAG	6154	AQLMTTSTIAQ	10743	LMTTSTI	0.476766	0.149339
TS124	1566	GCCCAAACGAATAGTACTCTTAGGCAGGCACAG	6155	AQTNSTLRQAQ	10744	TNSTLRQ	0.476574	0.068959
TS125	1567	GCCCAATCGAATTATACTAAGATTATTGCACAG	6156	AQSNYTKIIAQ	10745	SNYTKII	0.475873	0.12486
GS132	1568	GCCCAATCTGCTGGGCTTATTTCTTCGGCACAG	6157	AQSAGLISSAQ	10746	SAGLISS	0.475737	-0.10204
SyS242	1569	GCCCAAAAGCAGGGTCCGATGCTGTCTGCACAG	6158	AQKQGPMLSAQ	10747	KQGPMLS	0.475731	-0.02565
SyS243	1570	GCCCAAGTGAGGACTCCGGGTGTGCAGGCACAG	6159	AQVRTPGVQAQ	10748	VRTPGVQ	0.475278	0.173488
SyS244	1571	GCCCAAACTCCTGATCATCGGGAGCGGGCACAG	6160	AQTPDHRERAQ	10749	TPDHRER	0.473388	-0.13798
SyS245	1572	GCCCAAATGAATGCTACTGTTCCTTCTGCACAG	6161	AQMNATVPSAQ	10750	MNATVPS	0.472837	0.213593
SyS246	1573	GCCCAACTCCACAGCATGCTCGCCCCCGCACAG	6162	AQLHSMLAPAQ	10751	LHSMLAP	0.472535	0.03056
SyS247	1574	GCCCAAGACATGCACCACAGCCAACCCGCACAG	6163	AQDMHHSQPAQ	10752	DMHHSQP	0.472429	0.422194
GS133	1575	GCCCAAAAACCCCTCCCCACCACCTACGCACAG	6164	AQKPLPTTYAQ	10753	KPLPTTY	0.472296	-0.09564
GS134	1576	GCCCAAGCCATGCAAGTCACCCTCAGCGCACAG	6165	AQAMQVTLSAQ	10754	AMQVTLS	0.471652	-0.13615
GS135	1577	GCCCAAAGCCCCCACCCACGACGGCCAGAGCACAG	6166	AQSPTHDARAQ	10755	SPTHDAR	0.471243	-0.00229

도면33aq

SyS248	1578	GCCCAAGCGCTTTCTGTTAAGGAGCTTGCACAG	6167	AQALSVKELAQ	10756	ALSVKEL	0.470954	-0.13187
GP70	1579	GCCCAACCGTCTCGTGTGCCGACTCAGGCACAG	6168	AQPSRVPTQAQ	10757	PSRVPTQ	0.470688	-0.07252
SyS250	1580	GCCCAAGGCAGCCTCGGCCTCGGCAAAGCACAG	6169	AQGSLGLGKAQ	10758	GSLGLGK	0.470335	0.013558
SyS251	1581	GCCCAACATAGTTCGTATTCGTCGAAGGCACAG	6170	AQHSSYSSKAQ	10759	HSSYSSK	0.469692	-0.15617
GS136	1582	GCCCAACCGAATCCTAGTAATCCTTCTGCACAG	6171	AQPNPSNPSAQ	10760	PNPSNPS	0.469689	-0.12006
GP71	1583	GCCCAAACTAAGAATGGTGTTGCGCAGGCACAG	6172	AQTKNGVAQAQ	10761	TKNGVAQ	0.469615	0.072268
GP72	1584	GCCCAAGGTAGTACGAGTAGTGCTTATGCACAG	6173	AQGSTSSAYAQ	10762	GSTSSAY	0.469559	0.258704
SyS253	1585	GCCCAAAGAAGCACCCACGAAAACACCGCACAG	6174	AQRSTHENTAQ	10763	RSTHENT	0.467377	0.19944
SyS254	1586	GCCCAATCTGGTCATGATCGTGATGCCTGCACAG	6175	AQSGHDRDAAQ	10764	SGHDRDA	0.466417	0.040229
SyS255	1587	GCCCAAAATACTCAGTCTTATACTAGTGCACAG	6176	AQNTQSYTSAQ	10765	NTQSYTS	0.466373	-0.08867
SyS256	1588	GCCCAAGATCGTGTTCCGCATTTGCGGGCACAG	6177	AQDRVPHLRAQ	10766	DRVPHLR	0.466296	-0.16397
SyS257	1589	GCCCAAAATAATCCGCCTCATATGCGGGCACAG	6178	AQNNPPHMRAQ	10767	NNPPHMR	0.465834	-0.1254
SyS258	1590	GCCCAAAGAAGCCTCCAAAGCCAATTCGCACAG	6179	AQRSLQSQFAQ	10768	RSLQSQF	0.465601	-0.06774
SyS259	1591	GCCCAAATTCGTGATGATCGGTCTTTGGCACAG	6180	AQIRDDRSLAQ	10769	IRDDRSL	0.465259	0.094784
GS137	1592	GCCCAAATGTTGTCTGCTCCGCTGCCGGCACAG	6181	AQMLSAPLPAQ	10770	MLSAPLP	0.465145	-0.10658
SyS260	1593	GCCCAAACTTCGAGTATTTTGACTACGGCACAG	6182	AQTSSILTTAQ	10771	TSSILTT	0.465093	0.037804
SyS261	1594	GCCCAACGTGAGCAGATGAATCTTGTGGCACAG	6183	AQREQMNLVAQ	10772	REQMNLV	0.464872	-0.01918
SyS262	1595	GCCCAAAAGACGCAGAGTTTGAGTAATGCACAG	6184	AQKTQSLSNAQ	10773	KTQSLSN	0.464418	0.284303
SyS263	1596	GCCCAATTGAAGACTGCTGAGTATACTGCACAG	6185	AQLKTAEYTAQ	10774	LKTAEYT	0.464287	0.205827
SyS264	1597	GCCCAATCGAGTGAGAAGCCGTTTCGGGCACAG	6186	AQSSEKPFRAQ	10775	SSEKPFR	0.464115	0.348084
SyS265	1598	GCCCAACCCACCAGCGGCGTCTTCGGCGCACAG	6187	AQPTSGVFGAQ	10776	PTSGVFG	0.464095	-0.13314
SyS266	1599	GCCCAAGGCCCCAGCATCGTCACCATGGCACAG	6188	AQGPSIVTMAQ	10777	GPSIVTM	0.464061	0.018407
SyS267	1600	GCCCAAACGAGTGATAAGAGTTCGCTTGCACAG	6189	AQTSDKSSLAQ	10778	TSDKSSL	0.463586	0.196158
SyS268	1601	GCCCAAAATACTATTACTATGGCTAAGGCACAG	6190	AQNTITMAKAQ	10779	NTITMAK	0.46346	0.027199
GS139	1602	GCCCAACGGAATCAGCCTGTTCCGAGTGCACAG	6191	AQRNQPVPSAQ	10780	RNQPVPS	0.463054	-0.12521
SyS269	1603	GCCCAAAGCGTCCACCTCAACCTCCAAGCACAG	6192	AQSVHLNLQAQ	10781	SVHLNLQ	0.463008	-0.15411
SyS270	1604	GCCCAATATAATCTGACGATGGTTAGTGCACAG	6193	AQYNLTMVSAQ	10782	YNLTMVS	0.462794	-0.10646
GS140	1605	GCCCAAACCGCCGACAGCCACCCCAGAGCACAG	6194	AQTADSHPRAQ	10783	TADSHPR	0.462708	-0.06423
SyS271	1606	GCCCAATTGCTTGGTGAGAAGGTGATGGCACAG	6195	AQLLGEKVMAQ	10784	LLGEKVM	0.462387	0.138902
SyS272	1607	GCCCAATGGGATCTGACTGCTCCGCAGGCACAG	6196	AQWDLTAPQAQ	10785	WDLTAPQ	0.462376	-0.1489
SyS273	1608	GCCCAAGTGCTTGCTGATCGTCTTCCGGCACAG	6197	AQVLADRLPAQ	10786	VLADRLP	0.461956	-0.00299
SyS274	1609	GCCCAATCTCGTGCGCTGCCGAATTCGGCACAG	6198	AQSRALPNSAQ	10787	SRALPNS	0.461886	-0.05729

도면33ar

SyS276	1610	GCCCAAAGCAGCCTCAACATGCCCAGAGCACAG	6199	AQSSLNMPRAQ	10788	SSLNMPR	0.461752	0.063904
GS141	1611	GCCCAACAGAAGGTTTCGATTTTGGCTGCACAG	6200	AQQKVSILAAQ	10789	QKVSILA	0.461267	-0.03269
GS142	1612	GCCCAAAGAGGCGACAACAGCAGACTCGCACAG	6201	AQRGDNSRLAQ	10790	RGDNSRL	0.461258	-0.08034
SyS277	1613	GCCCAAAGAATCGACCTCGGCAGCCAAGCACAG	6202	AQRIDLGSQAQ	10791	RIDLGSQ	0.461247	0.339499
SyS278	1614	GCCCAAGCGTCGCTGGGTCTTCGGGCTGCACAG	6203	AQASLGLRAAQ	10792	ASLGLRA	0.461166	-0.04662
GS143	1615	GCCCAATCGATGCAGAATGGTCTTCGGGCACAG	6204	AQSMQNGLRAQ	10793	SMQNGLR	0.460831	-0.12628
SyS279	1616	GCCCAAACGTTGGCTGTGGGGATTGCGGCACAG	6205	AQTLAVGIAAQ	10794	TLAVGIA	0.46068	0.081823
SyS280	1617	GCCCAAGGGCAGACTGTGACGGGGGCGGCACAG	6206	AQGQTVTGAAQ	10795	GQTVTGA	0.460554	0.339252
SyS281	1618	GCCCAACATGCTTTGAGTCCTTCTCCGGCACAG	6207	AQHALSPSPAQ	10796	HALSPSP	0.459785	0.442724
GS144	1619	GCCCAAGTCAGCAGCGTCTTCACCGAAGCACAG	6208	AQVSSVFTEAQ	10797	VSSVFTE	0.459264	-0.12544
GS145	1620	GCCCAATACGGCGCCGGCGCCGTCAAAGCACAG	6209	AQYGAGAVKAQ	10798	YGAGAVK	0.459168	-0.15792
GS146	1621	GCCCAAAAAGAAACCCTCCCCAACGCCGCACAG	6210	AQKETLPNAAQ	10799	KETLPNA	0.458924	0.031664
GS147	1622	GCCCAAATCCCCAGCCAAACCCCCCTCGCACAG	6211	AQIPSQTPLAQ	10800	IPSQTPL	0.458515	0.02063
SyS282	1623	GCCCAAAGCGCCATCAGCACCTTCGTCGCACAG	6212	AQSAISTFVAQ	10801	SAISTFV	0.458157	0.041708
SyS283	1624	GCCCAAGTCAACAGCACCAGCAGCACCGCACAG	6213	AQVNSTSSTAQ	10802	VNSTSST	0.458101	0.362297
GS148	1625	GCCCAACCTACGCGTGATTATAAGGAGGCACAG	6214	AQPTRDYKEAQ	10803	PTRDYKE	0.457355	-0.10546
GS149	1626	GCCCAAAACAACCCCGCCAGCACCCAAGCACAG	6215	AQNNPASTQAQ	10804	NNPASTQ	0.457315	-0.17195
SyS284	1627	GCCCAAGTGACGCAGACGTCTGTTAATGCACAG	6216	AQVTQTSVNAQ	10805	VTQTSVN	0.456877	0.386968
SyS285	1628	GCCCAATGGGCCGGCACCACCAGCCACGCACAG	6217	AQWAGTTSHAQ	10806	WAGTTSH	0.45637	0.26665
SyS286	1629	GCCCAAGTCACCGCCGGCTTCAGCGCCGCACAG	6218	AQVTAGFSAAQ	10807	VTAGFSA	0.455591	0.020831
SyS287	1630	GCCCAATTGCATTCTCCTTCTATGCAGGCACAG	6219	AQLHSPSMQAQ	10808	LHSPSMQ	0.454973	-0.08509
GS151	1631	GCCCAATTTCCTACGCAGCCTTCGATGGCACAG	6220	AQFPTQPSMAQ	10809	FPTQPSM	0.454886	-0.05716
SyS288	1632	GCCCAAGCCCAAAGCGTCAACGACGGCGCACAG	6221	AQAQSVNDGAQ	10810	AQSVNDG	0.454548	-0.14283
SyS289	1633	GCCCAAGTCGCCAGCACCACCTACACCGCACAG	6222	AQVASTTYTAQ	10811	VASTTYT	0.454439	0.100393
SyS290	1634	GCCCAACTGGGGGGGTTGAATTCGGTGGCACAG	6223	AQLGGLNSVAQ	10812	LGGLNSV	0.454111	0.166066
SyS291	1635	GCCCAAGCCGGCGCCCCCAGCCTCAGCGCACAG	6224	AQAGAPSLSAQ	10813	AGAPSLS	0.452883	-0.02402
TS126	1636	GCCCAAAGTAATAGGAAGATTGATGATGCACAG	6225	AQSNRKIDDAQ	10814	SNRKIDD	0.452682	0.231949
GP73	1637	GCCCAATCTCCTAATAATAGGGCTGTGGCACAG	6226	AQSPNNRAVAQ	10815	SPNNRAV	0.452479	0.244087
SyS293	1638	GCCCAAGTTTTGAGGGAGGATCAGTCGGCACAG	6227	AQVLREDQSAQ	10816	VLREDQS	0.452095	-0.02524
SyS294	1639	GCCCAACTTCTTGCGACTGGGGCTTAAGGCACAG	6228	AQLLATGLKAQ	10817	LLATGLK	0.452095	-0.17193
GS152	1640	GCCCAAGTCCACCTCAGAAGCCAAATCGCACAG	6229	AQVHLRSQIAQ	10818	VHLRSQI	0.451987	-0.18149
GS153	1641	GCCCAAAGTGCGAATTCGAATTTGAAGGCACAG	6230	AQSANSNLKAQ	10819	SANSNLK	0.451973	0.020578

도면33as

SyS295	1642	GCCCAAAGCAAAGCCGGCGAAGGCAACGCACAG	6231	AQSKAGEGNAQ	10820	SKAGEGN	0.451948	0.034237
SyS296	1643	GCCCAAGTCAGCAACCCCGCCATGAAAGCACAG	6232	AQVSNPAMKAQ	10821	VSNPAMK	0.451812	0.252408
GS154	1644	GCCCAAATCAACGGCAACAACCAAAGAGCACAG	6233	AQINGNNQRAQ	10822	INGNNQR	0.451801	0.154055
SP30	1645	GCCCAATATAAGTCGACGACTCTTTCTGCACAG	6234	AQYKSTTLSAQ	10823	YKSTTLS	0.451779	-0.05333
SyS297	1646	GCCCAAAAAGAAGGCCTCGTCAGCAGAGCACAG	6235	AQKEGLVSRAQ	10824	KEGLVSR	0.451637	0.196029
GS155	1647	GCCCAACACCTCAAAGTCATGACCATCGCACAG	6236	AQHLKVMTIAQ	10825	HLKVMTI	0.451183	-0.16304
SyS298	1648	GCCCAAAGAACCAACGACCACAGCAGCGCACAG	6237	AQRTNDHSSAQ	10826	RTNDHSS	0.45114	0.269153
SyS299	1649	GCCCAACTGCCTTCTCAGTCTGCTAAGGCACAG	6238	AQLPSQSAKAQ	10827	LPSQSAK	0.450976	-0.15061
GS156	1650	GCCCAAATTACGCTGAGGCATTTGCAGGCACAG	6239	AQITLRHLQAQ	10828	ITLRHLQ	0.45092	-0.16814
SyS300	1651	GCCCAACAAATGATCGCCAACATCCCCGCACAG	6240	AQQMIANIPAQ	10829	QMIANIP	0.450647	0.113255
SyS301	1652	GCCCAAAGTTCTTCGACTGATCAGCATGCACAG	6241	AQSSSTDQHAQ	10830	SSSTDQH	0.450468	-0.09886
SyS302	1653	GCCCAAAGAAGCACCGACTTCACCCCCGCACAG	6242	AQRSTDFTPAQ	10831	RSTDFTP	0.450431	-0.13428
SyS303	1654	GCCCAACAGCATGCGTCTATTTCTGCTGCACAG	6243	AQQHASISAAQ	10832	QHASISA	0.450427	0.019295
GS157	1655	GCCCAAAACATCAGCAGCATTGCAAATGGCACAG	6244	AQNISSMQMAQ	10833	NISSMQM	0.450075	-0.06541
GS158	1656	GCCCAATCGGGGAATGTTGTGGGGCGGGCACAG	6245	AQSGNVVGRAQ	10834	SGNVVGR	0.449772	-0.03169
SyS304	1657	GCCCAAAGCAAAGGCGACACCAGCGCCGCACAG	6246	AQSKGDTSAAQ	10835	SKGDTSA	0.449763	0.203441
SyS306	1658	GCCCAACTGCTGAATACGGGGACTAAGGCACAG	6247	AQLLNTGTKAQ	10836	LLNTGTK	0.448254	0.095948
GS159	1659	GCCCAAGGTACTGGGGCTAGTATGAATGCACAG	6248	AQGTGASMNAQ	10837	GTGASMN	0.448204	-0.05716
SyS307	1660	GCCCAACGTCTTGATGCGAATTCTACGGCACAG	6249	AQRLDANSTAQ	10838	RLDANST	0.448191	0.242147
GS161	1661	GCCCAACTCCCCGAAAGACCCAACAGCGCACAG	6250	AQLPERPNSAQ	10839	LPERPNS	0.448013	-0.01858
SyS308	1662	GCCCAAGCCAGAGAAATCCTCAACCACGCACAG	6251	AQARELLNHAQ	10840	ARELLNH	0.447539	-0.01147
GS162	1663	GCCCAAAACTTCAAAACCACCAAACAGCGCACAG	6252	AQNFKTTNSAQ	10841	NFKTTNS	0.447528	0.230441
GS163	1664	GCCCAAGGCAGAACCGTCCAAGACAGAGCACAG	6253	AQGRTVQDRAQ	10842	GRTVQDR	0.447505	0.075102
GS164	1665	GCCCAAGGTATGAATCAGACGACGACTGCACAG	6254	AQGMNQTTTAQ	10843	GMNQTTT	0.446073	-0.05268
SyS309	1666	GCCCAAGTCGGCAAAGACGGCGTCCTCGCACAG	6255	AQVGKDGVLAQ	10844	VGKDGVL	0.445922	0.442273
GS165	1667	GCCCAAGTCACCAGAGACGGCGCCAAAGCACAG	6256	AQVTRDGAKAQ	10845	VTRDGAK	0.444855	0.06699
GS166	1668	GCCCAAGGTACTGCTACGTATGGTAAGGCACAG	6257	AQGTATYGKAQ	10846	GTATYGK	0.444487	-0.00843
SyS310	1669	GCCCAAATGTTGGGTGCTGAGGGGTATGCACAG	6258	AQMLGAEGYAQ	10847	MLGAEGY	0.444372	-0.08881
SyS311	1670	GCCCAAGTCACCCAACAAAACCACCACGCACAG	6259	AQVTQQNHHAQ	10848	VTQQNHH	0.444284	0.142962
SyS312	1671	GCCCAAACCGTCAACGCCGACCAACTCGCACAG	6260	AQTVNADQLAQ	10849	TVNADQL	0.444272	0.091137
GS167	1672	GCCCAACAGATGCAGAATAGTCCTATTGCACAG	6261	AQQMQNSPIAQ	10850	QMQNSPI	0.443818	-0.13896
SyS313	1673	GCCCAAGGGACGCTGGCGAGTTCGAAGGCACAG	6262	AQGTLASSKAQ	10851	GTLASSK	0.443282	0.256025

도면33at

GS169	1674	GCCCAATCTAATGTGACGATTGCGCATGCACAG	6263	AQSNVTIAHAQ	10852	SNVTIAH	0.442526	-0.12177
GS170	1675	GCCCAAGCGAATAATTCTCGTCCGTTTGCACAG	6264	AQANNSRPFAQ	10853	ANNSRPF	0.442454	0.419078
SyS314	1676	GCCCAAATTGCGACGGCGGGTGGTCCTGCACAG	6265	AQIATAGGPAQ	10854	IATAGGP	0.441873	0.058602
SyS315	1677	GCCCAAGCCTTCAGCGGCCCCAGCAGAGCACAG	6266	AQAFSGPSRAQ	10855	AFSGPSR	0.441659	0.035379
SyS316	1678	GCCCAACTCACCAACCTCGTCAGCAGAGCACAG	6267	AQLTNLVSRAQ	10856	LTNLVSR	0.441549	0.067167
SyS317	1679	GCCCAAGCCGGCCAACACCTCGCCCTCGCACAG	6268	AQAGQHLALAQ	10857	AGQHLAL	0.441104	-0.01578
SyS318	1680	GCCCAAAGTGTTGTGGCGTCTGCGAATGCACAG	6269	AQSVVASANAQ	10858	SVVASAN	0.441056	0.010976
SyS319	1681	GCCCAAGAGACTGTTTCGACTAGTCTTGCACAG	6270	AQETVSTSLAQ	10859	ETVSTSL	0.441048	-0.09691
SyS320	1682	GCCCAAATCCTCGCCGCCCTCACCGGCGCACAG	6271	AQILAALTGAQ	10860	ILAALTG	0.440956	-0.10525
SyS321	1683	GCCCAAACGACGGATAAGGCTGCGCTTGCACAG	6272	AQTTDKAALAQ	10861	TTDKAAL	0.440639	0.0093
SyS322	1684	GCCCAATACCTCGACAAACCCGGCGCCGCACAG	6273	AQYLDKPGAAQ	10862	YLDKPGA	0.43977	0.043522
SyS323	1685	GCCCAACCCAACCTCAGCAACCTCATGGCACAG	6274	AQPNLSNLMAQ	10863	PNLSNLM	0.439343	0.188183
SyS324	1686	GCCCAAATTAATGCGCCTACGGCTAGTGCACAG	6275	AQINAPTASAQ	10864	INAPTAS	0.439282	0.11633
SyS325	1687	GCCCAACATGGTGGTACGAGTCTGGCTGCACAG	6276	AQHGGTSLAAQ	10865	HGGTSLA	0.439114	0.231778
SyS326	1688	GCCCAAAATATTCAGTTGTCTCTTGCTGCACAG	6277	AQNIQLSLAAQ	10866	NIQLSLA	0.438906	-0.04774
SyS327	1689	GCCCAAACTCTTCATATGTCTAGTAAGGCACAG	6278	AQTLHMSSKAQ	10867	TLHMSSK	0.438887	-0.06151
GS171	1690	GCCCAAGCCATCATCAACCCCCACAGCGCACAG	6279	AQAIINPHSAQ	10868	AIINPHS	0.438571	-0.07991
SyS328	1691	GCCCAAAATACTCTGATTAATGTTAGTGCACAG	6280	AQNTLINVSAQ	10869	NTLINVS	0.438518	-0.09555
SyS329	1692	GCCCAAAACAGCGTCGTCCTCGCCATGGCACAG	6281	AQNSVVLAMAQ	10870	NSVVLAM	0.438471	-0.12176
SyS330	1693	GCCCAAAATATGGCTTCTTTGTCGGCGGCACAG	6282	AQNMASLSAAQ	10871	NMASLSA	0.438292	0.417265
GS172	1694	GCCCAAAGCAGCACCCACCTCCTCGCCGCACAG	6283	AQSSTHLLAAQ	10872	SSTHLLA	0.438222	-0.05576
SyS331	1695	GCCCAAGACAACAGCCAAAGCGACAAAGCACAG	6284	AQDNSQSDKAQ	10873	DNSQSDK	0.437981	-0.03541
GS173	1696	GCCCAAGGCATCACCACCAACGCCACGCACAG	6285	AQGITTNAHAQ	10874	GITTNAH	0.437698	0.041733
SyS332	1697	GCCCAATCTAGTACTATTAATGGGTATGCACAG	6286	AQSSTINGYAQ	10875	SSTINGY	0.437133	-0.0969
SyS333	1698	GCCCAAAATCATACGCGGATGAATGAGGCACAG	6287	AQNHTRMNEAQ	10876	NHTRMNE	0.436984	0.166362
GS174	1699	GCCCAAGGCAACCAACAAAAAAACCTCGCACAG	6288	AQGNQQKNLAQ	10877	GNQQKNL	0.436441	-0.03233
GS175	1700	GCCCAAGGTACGAGTGATCGGCAGCAGGCACAG	6289	AQGTSDRQQAQ	10878	GTSDRQQ	0.436147	0.02699
GS176	1701	GCCCAAAGCGACAGCGAATACAAACCCGCACAG	6290	AQSDSEYKPAQ	10879	SDSEYKP	0.435589	-0.08679
SyS334	1702	GCCCAAACGGGCTGCGCATGTTAGTTATGCACAG	6291	AQTAAHVSYAQ	10880	TAAHVSY	0.435197	-0.16291
SyS335	1703	GCCCAAATGGCCACCACCCACGCCGCCCGCACAG	6292	AQMATTHAAAQ	10881	MATTHAA	0.434993	0.274299
TS128	1704	GCCCAAAACAGCGTCAGACAAAGCCTCGCACAG	6293	AQNSVRQSLAQ	10882	NSVRQSL	0.434805	-0.16564
SyS336	1705	GCCCAATCGGGTAGTGGTGTTAGTAGTGCACAG	6294	AQSGSGVSSAQ	10883	SGSGVSS	0.434548	0.291222

도면33au

SyS337	1706	GCCCAACCCACCACCAGAATCACCGACGCACAG	6295	AQPTTRITDAQ	10884	PTTRITD	0.434069	0.294752		
SyS338	1707	GCCCAAAGTCATGAGGCGAAGAATCCTGCACAG	6296	AQSHEAKNPAQ	10885	SHEAKNP	0.433539	-0.031		
SyS339	1708	GCCCAACCGTATAGTACTGCTGATCGGGCACAG	6297	AQPYSTADRAQ	10886	PYSTADR	0.433522	-0.04024		
GS177	1709	GCCCAAATGCTCAGCAACACCAACCACGCACAG	6298	AQMLSNTNHAQ	10887	MLSNTNH	0.433305	0.052866		
GS178	1710	GCCCAAAGCCTCGGCCTCGGCGGCAGCGCACAG	6299	AQSLGLGGSAQ	10888	SLGLGGS	0.433248	-0.04395		
GS179	1711	GCCCAAAACGCCATGAACATGCCCGTCGCACAG	6300	AQNAMNMPVAQ	10889	NAMNMPV	0.433136	-0.04434		
GS180	1712	GCCCAAATGCTTGGGCATATTGCGAATGCACAG	6301	AQMLGHIANAQ	10890	MLGHIAN	0.432465	-0.11638		
SyS341	1713	GCCCAAAAAGGCCAAACCGTCAGCGAAGCACAG	6302	AQKGQTVSFAQ	10891	KGQTVSF	0.432458	0.072331		
GS181	1714	GCCCAAATGGATAATCGTAATAATTGGGCACAG	6303	AQMDNRNNWAQ	10892	MDNRNNW	0.43156	-0.1586		
GP76	1715	GCCCAACTGTTGCATAGGAATGATGTTGCACAG	6304	AQLLHRNDVAQ	10893	LLHRNDV	0.431521	-0.0735		
SyS342	1716	GCCCAAGCTAATCTGGTTTCGGCGAAGGCACAG	6305	AQANLVSAKAQ	10894	ANLVSAK	0.431404	-0.07004		
GS182	1717	GCCCAAAGTCTGACGAGGGATCTGAAGGCACAG	6306	AQSLTRDLKAQ	10895	SLTRDLK	0.431179	-0.08846		
SyS343	1718	GCCCAAGGTGGGCAGATTGTCGCGTGCACAG	6307	AQGGQIVSRAQ	10896	GGQIVSR	0.430648	-0.00826		
SyS344	1719	GCCCAAAATTATACTCCTGATAAGAGGGCACAG	6308	AQNYTPDKRAQ	10897	NYTPDKR	0.430568	-0.16745		
SyS345	1720	GCCCAACTCTACGCCAACCACCACGCACAG	6309	AQLYANHHSAQ	10898	LYANHHS	0.430452	-0.081		
SyS346	1721	GCCCAAGAGAGTGTGGCTGGGCATATGGCACAG	6310	AQESVAGHMAQ	10899	ESVAGHM	0.430163	-0.1063		
GP77	1722	GCCCAAGAGCCTCGTCAGGATGCGCATGCACAG	6311	AQEPRQDAHAQ	10900	EPRQDAH	0.43013	0.337418		
SyS347	1723	GCCCAAAGCGTCGGCGGCACCACCCAAGCACAG	6312	AQSVGGTTQAQ	10901	SVGGTTQ	0.430117	0.05114		
SyS348	1724	GCCCAACAACCCGCCATGTTCAACGGCGCACAG	6313	AQQPAMFNGAQ	10902	QPAMFNG	0.430117	-0.15374		
GS184	1725	GCCCAAGTCAAACAAACCGTCATGAGCGCACAG	6314	AQVKQTVMSAQ	10903	VKQTVMS	0.429804	-8.09E-05		
SyS349	1726	GCCCAACTTTATGAGCAGGCTTCTAAGGCACAG	6315	AQLYEQASKAQ	10904	LYEQASK	0.429754	0.124383		
SyS350	1727	GCCCAAATTAATGCGGCGATTGCTCTGGCACAG	6316	AQINAAIALAQ	10905	INAAIAL	0.429581	-0.21436		
SyS351	1728	GCCCAACTCGAACTCAGCCACAGCAGAGCACAG	6317	AQLELSHSRAQ	10906	LELSHSR	0.429244	0.25293		
GP78	1729	GCCCAAAGTGTGAAGAGTATTATGAATGCACAG	6318	AQSVKSIMNAQ	10907	SVKSIMN	0.428562	-0.07287		
SyS352	1730	GCCCAAGTGCCGAATCGTGAGCCTAAGGCACAG	6319	AQVPNREPKAQ	10908	VPNREPK	0.428373	0.228979		
SyP35	1731	GCCCAAATTGCTTCTTTGCTGTCGCGTGCACAG	6320	AQIASLLSRAQ	10909	IASLLSR	0.428365	-0.04133		
SyS353	1732	GCCCAAGCCAACAACGTCGCCGACAGAGCACAG	6321	AQANNVADRAQ	10910	ANNVADR	0.42829	0.331604		
SyS354	1733	GCCCAAAGCGTCGACAGAGCCGAAAGAGCACAG	6322	AQSVDRAERAQ	10911	SVDRAER	0.428286	0.009172		
SyS355	1734	GCCCAAGTCCTCGCCGACAGAGTCCCCGCACAG	6323	AQVLADRVPAQ	10912	VLADRVP	0.428185	0.109096		
SyS356	1735	GCCCAACGGACTGATTCGTCTCATCCGGCACAG	6324	AQRTDSSHPAQ	10913	RTDSSHP	0.42814	0.164627		
GS185	1736	GCCCAAATTCTTGGTACTGGTGGGCAGGCACAG	6325	AQILGTGGQAQ	10914	ILGTGGQ	0.427671	-0.15048		
SyS357	1737	GCCCAATCTACTGCGCAGGCTAGTTATGCACAG	6326	AQSTAQASYAQ	10915	STAQASY	0.427624	0.14248		

도면33av

SyS358	1738	GCCCAAGTCGGCCCCATCAACACCGTCGCACAG	6327	AQVGPINTVAQ	10916	VGPINTV	0.427596	0.270593
SyS359	1739	GCCCAACAAACCAACAACACCGTCAGAGCACAG	6328	AQQTNNTVRAQ	10917	QTNNTVR	0.427534	0.514292
TS129	1740	GCCCAAGGCAACGCCGTCAGAAGCACCGCACAG	6329	AQGNAVRSTAQ	10918	GNAVRST	0.427529	1.114857
SyS360	1741	GCCCAACAGAATTTGACTAAGGGTCAGGCACAG	6330	AQQNLTKGQAQ	10919	QNLTKGQ	0.427304	0.307102
GS186	1742	GCCCAAAAACAACTCAGCAAAGACTACGCACAG	6331	AQKQLSKDYAQ	10920	KQLSKDY	0.427204	0.142161
SyS361	1743	GCCCAAATGGTTCAGAATGGTCTGATTGCACAG	6332	AQMVQNGLIAQ	10921	MVQNGLI	0.426778	0.092359
SyS362	1744	GCCCAAATCGTCGAACACATGCCCCTCGCACAG	6333	AQIVEHMPLAQ	10922	IVEHMPL	0.426165	-0.1101
GS187	1745	GCCCAATACGACACCACCAGCATCTTCGCACAG	6334	AQYDTTSIFAQ	10923	YDTTSIF	0.425436	-0.10346
GS188	1746	GCCCAAAATAGTATTTCGTCTTCGGCTGCACAG	6335	AQNSISSSAAQ	10924	NSISSSA	0.425239	0.069039
SyS364	1747	GCCCAAGGCGGCAACAACAGCCTCCACGCACAG	6336	AQGGNNSLHAQ	10925	GGNNSLH	0.425087	0.214382
SyS365	1748	GCCCAAATTTCTGGTGCGTCTCTTATGGCACAG	6337	AQISGASLMAQ	10926	ISGASLM	0.424892	-0.11822
GP79	1749	GCCCAAGCTACTCTTTCGAGGAATGTTGCACAG	6338	AQATLSRNVAQ	10927	ATLSRNV	0.424839	-0.0735
SyS366	1750	GCCCAACTGGCTAATAATGTTCCGCTTGCACAG	6339	AQLANNVPLAQ	10928	LANNVPL	0.424655	-0.08052
SyS367	1751	GCCCAATGGAGCGACCCCAGCGACCTCGCACAG	6340	AQWSDPSDLAQ	10929	WSDPSDL	0.424504	-0.17072
SyS368	1752	GCCCAAAGCAGCCTCACCGACCAACCCGCACAG	6341	AQSSLTDQPAQ	10930	SSLTDQP	0.424278	0.005071
SyS369	1753	GCCCAATACGTCCCCGACCACACCAGAGCACAG	6342	AQYVPDHTRAQ	10931	YVPDHTR	0.424216	0.056561
SyS370	1754	GCCCAAAATAATACGGAGGGTAAGGCGGCACAG	6343	AQNNTEGKAAQ	10932	NNTEGKA	0.423868	0.141109
TS130	1755	GCCCAAGGTAATAGTGTTAGGTTGATTGCACAG	6344	AQGNSVRLIAQ	10933	GNSVRLI	0.423672	-0.10341
SyS371	1756	GCCCAAATTGCGCAGTCGAATACTCTTGCACAG	6345	AQIAQSNTLAQ	10934	IAQSNTL	0.423532	0.211326
GS189	1757	GCCCAACACGACAACGCCACCAAATACGCACAG	6346	AQHDNATKYAQ	10935	HDNATKY	0.423515	0.078962
SyS372	1758	GCCCAAACTAAGGCTAATGAGATGCAGGCACAG	6347	AQTKANEMQAQ	10936	TKANEMQ	0.423482	0.265014
GS190	1759	GCCCAATATTTGGGTACGGTTGTTGCGGCACAG	6348	AQYLGTVVAAQ	10937	YLGTVVA	0.423467	-0.07819
SyS373	1760	GCCCAACCTTCGATTGAGCTTAAGCCTGCACAG	6349	AQPSIELKPAQ	10938	PSIELKP	0.423417	-0.09703
SyS374	1761	GCCCAAGCTGCGGGGAATGTTCTTATGGCACAG	6350	AQAAGNVLMAQ	10939	AAGNVLM	0.423413	0.035242
SyS375	1762	GCCCAAACGTCTGTGGCTAATTTGCGTGCACAG	6351	AQTSVANLRAQ	10940	TSVANLR	0.422924	0.030491
GS191	1763	GCCCAATTTTCGCGTGAGCCGAAGCCTGCACAG	6352	AQFSREPKPAQ	10941	FSREPKP	0.422561	-0.02217
SyS376	1764	GCCCAAACCCCCAGAGAAAACTGGGGCGCACAG	6353	AQTPRENWGAQ	10942	TPRENWG	0.422534	-0.00948
SyS377	1765	GCCCAATCGCAGAATGTTGGTACTAAGGCACAG	6354	AQSQNVGTKAQ	10943	SQNVGTK	0.422488	-0.06393
GS192	1766	GCCCAATATCTGGATAAGGGGAGGACTGCACAG	6355	AQYLDKGRTAQ	10944	YLDKGRT	0.422461	-0.04855
GP80	1767	GCCCAAACGAGTACGACGCCTTTTCTTGCACAG	6356	AQTSTTPFLAQ	10945	TSTTPFL	0.422363	-0.0737
SyS378	1768	GCCCAACGGCAGGATAATCTGGAGCTGGCACAG	6357	AQRQDNLELAQ	10946	RQDNLEL	0.422343	-0.03114
SyS379	1769	GCCCAAATCAGCGACAGCAGAGTCCACGCACAG	6358	AQISDSRVHAQ	10947	ISDSRVH	0.421868	0.204338

도면33aw

GS193	1770	GCCCAAAGTCAGAGTAGTCATTATAAGGCACAG	6359	AQSQSSHYKAQ	10948	SQSSHYK	0.421689	-0.11747
SyS380	1771	GCCCAATTGAATCGGGTGGTTTCGCAGGCACAG	6360	AQLNRVVSQAQ	10949	LNRVVSQ	0.421684	-0.17314
SyS381	1772	GCCCAAATGGCCCTCGACAACAGCAGAGCACAG	6361	AQMALDNSRAQ	10950	MALDNSR	0.421593	0.010591
SyS382	1773	GCCCAACTCATCCAAAGCATGGCCAAAGCACAG	6362	AQLIQSMAKAQ	10951	LIQSMAK	0.42118	-0.0049
SyS383	1774	GCCCAAGCGGGTGAGCCTAATTCTAGGGCACAG	6363	AQAGEPNSRAQ	10952	AGEPNSR	0.421075	-0.13064
SyS384	1775	GCCCAAAGTAATCAGTCTACTGTTCGGGCACAG	6364	AQSNQSTVRAQ	10953	SNQSTVR	0.420949	0.206664
SyS385	1776	GCCCAAACCAGCAACCTCAGCGAAAGAGCACAG	6365	AQTSNLSERAQ	10954	TSNLSER	0.420166	0.187613
TS132	1777	GCCCAATCGAATTCTACTTCTCGTGCTGCACAG	6366	AQSNSTSRAAQ	10955	SNSTSRA	0.420136	0.455929
GS194	1778	GCCCAAATGCAGCAGCAGTTTCCTTCGGCACAG	6367	AQMQQQFPSAQ	10956	MQQQFPS	0.419987	-0.07715
SyS386	1779	GCCCAATTCAACACCCTCGCCGAAGTCGCACAG	6368	AQFNTLAEVAQ	10957	FNTLAEV	0.419845	0.023739
SyS387	1780	GCCCAACCGGGGGTTACGGTTATTAGTGCACAG	6369	AQPGVTVISAQ	10958	PGVTVIS	0.419723	-0.08635
SyS388	1781	GCCCAACTCCAAAACGTCCACGACAGCGCACAG	6370	AQLQNVHDSAQ	10959	LQNVHDS	0.419505	0.029624
SyS389	1782	GCCCAAAATTCGGTTATTGGTGGGTCGGCACAG	6371	AQNSVIGGSAQ	10960	NSVIGGS	0.41915	0.135501
SyS390	1783	GCCCAAAACGAAGGCGTCAGACCCCTCGCACAG	6372	AQNEGVRPLAQ	10961	NEGVRPL	0.418827	0.007496
GS197	1784	GCCCAATCGGTGAATCCTAGTGTGGTTGCACAG	6373	AQSVNPSVVAQ	10962	SVNPSVV	0.418691	-0.08801
SyS391	1785	GCCCAAATGAGTACGACGTCTGAGGATGCACAG	6374	AQMSTTSEDAQ	10963	MSTTSED	0.418589	-0.10689
SyS392	1786	GCCCAAATTCATAGTGGGCTTCCGAAGGCACAG	6375	AQIHSGLPKAQ	10964	IHSGLPK	0.418094	0.165287
SyS393	1787	GCCCAAGGTATGAATGGTTATCCGAAGGCACAG	6376	AQGMNGYPKAQ	10965	GMNGYPK	0.417434	-0.02328
SyS394	1788	GCCCAAAGTATTCGGGATTCTGTGAAGGCACAG	6377	AQSIRDSVKAQ	10966	SIRDSVK	0.417384	0.095996
SyS395	1789	GCCCAAATGCTTAAGCCGGATAATGTTGCACAG	6378	AQMLKPDNVAQ	10967	MLKPDNV	0.417215	-0.01225
SyS396	1790	GCCCAAGCTTTTACGTCGTCTCTTGGGGCACAG	6379	AQAFTSSLGAQ	10968	AFTSSLG	0.41715	-0.08384
SyS397	1791	GCCCAAAATGCTGGATAAGTCTTCGTCGGCACAG	6380	AQMLDKSSSAQ	10969	MLDKSSS	0.416677	0.230852
GS198	1792	GCCCAAAAGACTCAGAATACTCAGATGGCACAG	6381	AQKTQNTQMAQ	10970	KTQNTQM	0.416523	0.092678
SyS398	1793	GCCCAAGGGACTACTAGTTCGATGGCTGCACAG	6382	AQGTTSSMAAQ	10971	GTTSSMA	0.416405	0.279218
GS199	1794	GCCCAAGGCAGCGCCGCCAGCCAAGCCGCACAG	6383	AQGSAASQAAQ	10972	GSAASQA	0.416298	-0.04868
SyS399	1795	GCCCAAGCCCACAGCAACATCGACAGCGCACAG	6384	AQAHSNIDSAQ	10973	AHSNIDS	0.416158	0.134486
SyS400	1796	GCCCAAGGCAGCGCCAGCAGCCTCCTCGCACAG	6385	AQGSASSLLAQ	10974	GSASSLL	0.41564	-0.02039
SyS401	1797	GCCCAATTGAGTCCTAATTCTAGTTTTGCACAG	6386	AQLSPNSSFAQ	10975	LSPNSSF	0.415615	0.029121
SyS402	1798	GCCCAAGGGCATTCTGTTACTCCGTCTGCACAG	6387	AQGHSVTPSAQ	10976	GHSVTPS	0.415423	0.010986
SyS403	1799	GCCCAAAAAGGCGGCAACAGCATCGACGCACAG	6388	AQKGGNSIDAQ	10977	KGGNSID	0.415013	0.279789
SyS404	1800	GCCCAACTCGGCCCCAGCCCCAGCGCCGCACAG	6389	AQLGPSPSAAQ	10978	LGPSPSA	0.41486	-0.19011
SyS405	1801	GCCCAACAGCTGCCTATGCTTAATGCTGCACAG	6390	AQQLPMLNAAQ	10979	QLPMLNA	0.414768	0.206951

도면33ax

SyS407	1802	GCCCAAGCTACGAATATTCTTACTGCGGCACAG	6391	AQATNILTAAQ	10980	ATNILTA	0.413225	-0.04554
GS201	1803	GCCCAACTCATGCAAAACGGCCAAAAAGCACAG	6392	AQLMQNGQKAQ	10981	LMQNGQK	0.413036	0.001705
SyS408	1804	GCCCAACATAATAATGGGCAGGCTTTGGCACAG	6393	AQHNNGQALAQ	10982	HNNGQAL	0.412853	-0.18614
SyS409	1805	GCCCAATCTATTACTCAGACTCTTTCTGCACAG	6394	AQSITQTLSAQ	10983	SITQTLS	0.412719	0.059774
TS135	1806	GCCCAAGGGAATAGGATTAGTAATACGGCACAG	6395	AQGNRISNTAQ	10984	GNRISNT	0.412694	0.198634
SyS410	1807	GCCCAAGGTCCTCAGAATGATCCGCCGGCACAG	6396	AQGPQNDPPAQ	10985	GPQNDPP	0.41264	-0.03615
GS202	1808	GCCCAAATCAACGGCATGGGCCCCAACGCACAG	6397	AQINGMGPNAQ	10986	INGMGPN	0.412563	0.028973
SyS411	1809	GCCCAAACTGGGAATGCGCATCCTAATGCACAG	6398	AQTGNAHPNAQ	10987	TGNAHPN	0.412504	-0.09192
SyS412	1810	GCCCAATATGCTGTGAATCTGAATAATGCACAG	6399	AQYAVNLNNAQ	10988	YAVNLNN	0.412504	-0.15859
GS203	1811	GCCCAAGCGTTGATTTCTAATAGTACGGCACAG	6400	AQALISNSTAQ	10989	ALISNST	0.412484	-0.03295
SyS413	1812	GCCCAATCTCATGTTTCTACTATGGCACAG	6401	AQSHVSTTMAQ	10990	SHVSTTM	0.412469	0.018515
SyS414	1813	GCCCAACTGGATGATTTTGTGAGGCCGGCACAG	6402	AQLDDFVRPAQ	10991	LDDFVRP	0.41244	-0.19203
GS204	1814	GCCCAAAATAATACTGCGCGGTCTGTTGCACAG	6403	AQNNTARSVAQ	10992	NNTARSV	0.412149	-0.09946
SyS415	1815	GCCCAAAACAAATACCCCCAACCCAGCGCACAG	6404	AQNKYPQPSAQ	10993	NKYPQPS	0.412005	-0.11816
SyS416	1816	GCCCAATATGCGTCGGAGTTGTTTGTTGCACAG	6405	AQYASELFVAQ	10994	YASELFV	0.411713	-0.19254
GS205	1817	GCCCAATTCTACACCGCCAACGCCAGCGCACAG	6406	AQFYTANASAQ	10995	FYTANAS	0.411179	-0.07392
GP83	1818	GCCCAATTTACGAAGTCGAATGCGACTGCACAG	6407	AQFTKSNATAQ	10996	FTKSNAT	0.411133	-0.07308
SyS417	1819	GCCCAACTCGCCGTCAGCCAAATGAGAGCACAG	6408	AQLAVSQMRAQ	10997	LAVSQMR	0.411001	-0.03857
SyS418	1820	GCCCAAAGGAATGGTCAGCTGATTGTGGCACAG	6409	AQRNGQLIVAQ	10998	RNGQLIV	0.410978	0.234351
SyS419	1821	GCCCAAGACACCGCCAACACCGCCAGAGCACAG	6410	AQDTANTARAQ	10999	DTANTAR	0.410859	0.147093
GS207	1822	GCCCAAAAACCCACCGAAGTCCAACACGCACAG	6411	AQKPTEVQHAQ	11000	KPTEVQH	0.410623	-0.02471
SyS420	1823	GCCCAACTTACTAATGCGGCGACTTATGCACAG	6412	AQLTNAATYAQ	11001	LTNAATY	0.410298	0.266975
SyS421	1824	GCCCAAATCAGCAACGTCCAAGCCAACGCACAG	6413	AQISNVQANAQ	11002	ISNVQAN	0.410249	0.422795
SyS422	1825	GCCCAAGAGAGTCGTAATAATGGGTTTGCACAG	6414	AQESRNNGFAQ	11003	ESRNNGF	0.410147	-0.09761
SyS423	1826	GCCCAAAGCACCGGCCCCACCATGCACGCACAG	6415	AQSTGPTMHAQ	11004	STGPTMH	0.409836	0.093513
SyS424	1827	GCCCAAACGCCTGGTGAGTCGCATAAGGCACAG	6416	AQTPGESHKAQ	11005	TPGESHK	0.409786	-0.15011
GS208	1828	GCCCAAAGCGTCAGCATCGCCAGCAGCGCACAG	6417	AQSVSIASSAQ	11006	SVSIASS	0.409517	-0.03488
SyS425	1829	GCCCAAAATGGTGTTACGCAGTCTAAGGCACAG	6418	AQNGVTQSKAQ	11007	NGVTQSK	0.409482	-0.08464
GS209	1830	GCCCAAGCTAAGAATACGTATGCTTCTGCACAG	6419	AQAKNTYASAQ	11008	AKNTYAS	0.409391	-0.06675
SyS426	1831	GCCCAAGGTACTTCGGATGGTCATAGGGCACAG	6420	AQGTSDGHRAQ	11009	GTSDGHR	0.408706	-0.00891
SP33	1832	GCCCAATGGTCTCAGAATAAGGGTATGCACAG	6421	AQWSQNKGYAQ	11010	WSQNKGY	0.408567	-0.04954
SyS427	1833	GCCCAAGGTCAGTTGGCGCGGTCTGTTGCACAG	6422	AQGQLARSVAQ	11011	GQLARSV	0.408524	-0.00072

도면33ay

GS210	1834	GCCCAAATCGGCGGCGGCGCCCAAAAAGCACAG	6423	AQIGGGAQKAQ	11012	IGGGAQK	0.408472	0.032961
GS211	1835	GCCCAAGCCGGCAACGCCAGCCACACCGCACAG	6424	AQAGNASHTAQ	11013	AGNASHT	0.408162	-0.12162
SyS428	1836	GCCCAATTCAACCAAGTCGGCAAAATGGCACAG	6425	AQFNQVGKMAQ	11014	FNQVGKM	0.407791	0.16513
SyS429	1837	GCCCAAACGAGGGATACTCTGTATAAGGCACAG	6426	AQTRDTLYKAQ	11015	TRDTLYK	0.407466	-0.16866
SyS430	1838	GCCCAAAACGGCAGCCCCAGCTACAACGCACAG	6427	AQNGSPSYNAQ	11016	NGSPSYN	0.407246	-0.15253
SyS431	1839	GCCCAATTGGCTGAGGCGCATGCTCGTGCACAG	6428	AQLAEAHARAQ	11017	LAEAHAR	0.407096	-0.17435
SyS432	1840	GCCCAACCTATGTCTAATTCGGAGCGTGCACAG	6429	AQPMSNSERAQ	11018	PMSNSER	0.407062	0.211218
SyS434	1841	GCCCAACACGTCACCAGCCTCAACGACGCACAG	6430	AQHVTSLNDAQ	11019	HVTSLND	0.406789	0.247538
GS212	1842	GCCCAAGGGGGCTCCGCATGTTTCGAGGGCACAG	6431	AQGAPHVSRAQ	11020	GAPHVSR	0.406617	-0.07068
SyS435	1843	GCCCAAAATACTAATGGGAATAGTGCGGCACAG	6432	AQNTNGNSAAQ	11021	NTNGNSA	0.405996	0.106612
SyS436	1844	GCCCAAAACGAACTCACCGGCATGCTCGCACAG	6433	AQNELTGMLAQ	11022	NELTGML	0.405204	-0.12222
SyS437	1845	GCCCAAAGTTCTCTTTGCCTGCTGCACAG	6434	AQSSLLPAAAQ	11023	SSLLPAA	0.404837	-0.11667
SyS438	1846	GCCCAACCGGTTGGTCAGTCGTTGACTGCACAG	6435	AQPVGQSLTAQ	11024	PVGQSLT	0.404833	-0.00463
SyS439	1847	GCCCAATTGACTGCTGCGAAGGGTCTTGCACAG	6436	AQLTAAKGLAQ	11025	LTAAKGL	0.404775	-0.07979
GP85	1848	GCCCAACTGATTGGGCGGCTGACTTCTGCACAG	6437	AQLIGRLTSAQ	11026	LIGRLTS	0.404569	-0.07322
GP86	1849	GCCCAAGCTAAGCATAATGATAATATTGCACAG	6438	AQAKHNDNIAQ	11027	AKHNDNI	0.404338	0.076246
SyS440	1850	GCCCAATTGCGTAGTGGTGATGAGATGGCACAG	6439	AQLRSGDEMAQ	11028	LRSGDEM	0.404093	-0.0112
SyS441	1851	GCCCAACCCCAAAACAGCACACCGCCGCACAG	6440	AQPQNSTTAAQ	11029	PQNSTTA	0.404089	-0.04125
GS213	1852	GCCCAACTGGCTACTGGGCCTCTTTTTGCACAG	6441	AQLATGPLFAQ	11030	LATGPLF	0.403608	-0.16394
SyS442	1853	GCCCAAGCGTCTGCTGTGAGTCAGAAGGCACAG	6442	AQASAVSQKAQ	11031	ASAVSQK	0.403527	0.110544
SyS443	1854	GCCCAAGCGCCTGTTAGTTCTGCGTTGGCACAG	6443	AQAPVSSALAQ	11032	APVSSAL	0.40338	-0.15617
SyS444	1855	GCCCAAACGATGCCGAGTCTGGATAGTGCACAG	6444	AQTMPSLDSAQ	11033	TMPSLDS	0.403287	-0.20951
GS215	1856	GCCCAACATATGAATTTCCGAATCCGGCACAG	6445	AQHMNFPNPAQ	11034	HMNFPNP	0.403183	-0.14779
SP34	1857	GCCCAAGCGTCTGCGAGGATGGATGCGGCACAG	6446	AQASARMDAAQ	11035	ASARMDA	0.402718	-0.05379
SyS445	1858	GCCCAAACCGTCATCGTCGGCGGCAGAGCACAG	6447	AQTVIVGGRAQ	11036	TVIVGGR	0.402646	-0.15534
SyS446	1859	GCCCAAAGTAGTCAGAGTCAGACTGTTGCACAG	6448	AQSSQSQTVAQ	11037	SSQSQTV	0.40259	-0.00826
GS216	1860	GCCCAAATCAACACCACCAGCCAAAAAGCACAG	6449	AQINTTSQKAQ	11038	INTTSQK	0.402505	0.195122
SyS447	1861	GCCCAAGCTGGGGCGGCGTGTTACGGAGGCACAG	6450	AQAGARVTEAQ	11039	AGARVTE	0.402225	0.012345
GS217	1862	GCCCAACCCGCCCCCCACAGCGGCAGCGCACAG	6451	AQPAPHSGSAQ	11040	PAPHSGS	0.402189	-0.18099
SyS448	1863	GCCCAACTCAACGTCATGTACAACCCCGCACAG	6452	AQLNVMYNPAQ	11041	LNVMYNP	0.402132	-0.11495
GS218	1864	GCCCAAGGGCATGCTCAGACTCTTATGCACAG	6453	AQGHAQTLYAQ	11042	GHAQTLY	0.402085	-0.07242
GS219	1865	GCCCAAACTCCTAATCTGTCTACTCATGCACAG	6454	AQTPNLSTHAQ	11043	TPNLSTH	0.401391	-0.11638

도면33az

SyS449	1866	GCCCAAAGCGCCGAAAGAACCAACGTCGCACAG	6455	AQSAERTNVAQ	11044	SAERTNV	0.40125	0.211168
TS136	1867	GCCCAAAACAACCTCAGACCCGTCTACGCACAG	6456	AQNNLRPVYAQ	11045	NNLRPVY	0.401221	-0.16565
SyS450	1868	GCCCAAAATCAGCAGTCTGCTTATACGGCACAG	6457	AQNQQSAYTAQ	11046	NQQSAYT	0.400966	0.20764
SyS451	1869	GCCCAAGTCGTCGACGGCAAAACCCAAGCACAG	6458	AQVVDGKTQAQ	11047	VVDGKTQ	0.400944	0.002558
SyS452	1870	GCCCAACCCCTCCCCCAACAACTCGACGCACAG	6459	AQPLPQQLDAQ	11048	PLPQQLD	0.40087	-0.04961
SyS453	1871	GCCCAAGTCGCCGAAATCGTCCAACTCGCACAG	6460	AQVAEIVQLAQ	11049	VAEIVQL	0.400846	-0.19011
SS41	1872	GCCCAAGACAGAAACACCACCGTCAGAGCACAG	6461	AQDRNTTVRAQ	11050	DRNTTVR	0.40065	-0.05681
SyS454	1873	GCCCAAAATATGATGAAGACGGGGATGGCACAG	6462	AQNMMKTGMAQ	11051	NMMKTGM	0.400506	0.125092
SyS455	1874	GCCCAAGTCCAATTCAACACCAGCAAAGCACAG	6463	AQVQFNTSKAQ	11052	VQFNTSK	0.400373	0.028343
SyS456	1875	GCCCAACCTGGGAATGCTAGTATTCGTGCACAG	6464	AQPGNASIRAQ	11053	PGNASIR	0.400324	-0.16951
SyS457	1876	GCCCAACTCGGCGGCATCCTCAGCGCCGCACAG	6465	AQLGGILSAAQ	11054	LGGILSA	0.400238	-0.08048
SyS458	1877	GCCCAACAGACGGATCATTCGCATCTTGCACAG	6466	AQQTDHSHLAQ	11055	QTDHSHL	0.400082	-0.00343
SyS459	1878	GCCCAAACGCTGCATGCTGAGTTTAGTGCACAG	6467	AQTLHAEFSAQ	11056	TLHAEFS	0.399977	-0.08783
GP87	1879	GCCCAACTGTCGGATCGTCTGAATGCGGCACAG	6468	AQLSDRLNAAQ	11057	LSDRLNA	0.399921	0.343918
GS222	1880	GCCCAACTGAATGAGCGTATTGGTGGGGCACAG	6469	AQLNERIGGAQ	11058	LNERIGG	0.399725	0.141871
SyS460	1881	GCCCAAACTTTGAATTCGACGGCGTCGGCACAG	6470	AQTLNSTASAQ	11059	TLNSTAS	0.399702	-0.02669
GS223	1882	GCCCAATCTGGGCGGGTTGTTGCGCAGGCACAG	6471	AQSGRVVAQAQ	11060	SGRVVAQ	0.399629	-0.09114
TS137	1883	GCCCAAAATAATCGTACGACTAATAATGCACAG	6472	AQNNRTTNNAQ	11061	NNRTTNN	0.399086	0.311194
SS42	1884	GCCCAAAACGTCCCCAGCAGCACCTACGCACAG	6473	AQNVPSSTYAQ	11062	NVPSSTY	0.39867	-0.28456
SyS461	1885	GCCCAAGTCCCCAGCACCGCCCTCAAAGCACAG	6474	AQVPSTALKAQ	11063	VPSTALK	0.3985	0.103803
SyS462	1886	GCCCAACCTCCTAATACTCAGAGTCTGGCACAG	6475	AQPPNTQSLAQ	11064	PPNTQSL	0.398398	-0.08905
TS138	1887	GCCCAAACGAATACGACGCGGGCGATGGCACAG	6476	AQTNTTRAMAQ	11065	TNTTRAM	0.397943	0.551742
TS139	1888	GCCCAAAGCAACAGAACCGTCAGAGAAGCACAG	6477	AQSNRTVREAQ	11066	SNRTVRE	0.397876	0.454359
SyS463	1889	GCCCAAGCTTCGACTCAGATTATGAGGGCACAG	6478	AQASTQIMRAQ	11067	ASTQIMR	0.397639	-0.12339
SyS464	1890	GCCCAAACGGTGATTAGTTCTAGTCGTGCACAG	6479	AQTVISSSRAQ	11068	TVISSSR	0.397266	-0.01675
GS226	1891	GCCCAAGTCTACAGCCCCCAAGGCACCGCACAG	6480	AQVYSPQGTAQ	11069	VYSPQGT	0.397151	0.052156
SyS465	1892	GCCCAAGGCAGCCCCCACCCAAAGCATGGCACAG	6481	AQGSPTQSMAQ	11070	GSPTQSM	0.396853	0.092045
SyS466	1893	GCCCAAGCGGGTGTCGTCGGAGGCTCGTGCACAG	6482	AQAVSSEARAQ	11071	AVSSEAR	0.396674	-0.15767
SyS467	1894	GCCCAAGGTTCGGTTGCGACTCTTACTGCACAG	6483	AQGSVATLTAQ	11072	GSVATLT	0.396673	0.012454
SyS468	1895	GCCCAAAGCGCCAACACCGGCACCGGCGCACAG	6484	AQSANTGTGAQ	11073	SANTGTG	0.396431	-0.10276
SyS469	1896	GCCCAAATTGTTCAGGGGACTAGTATGGCACAG	6485	AQIVQGTSMAQ	11074	IVQGTSM	0.39631	0.142036
GS227	1897	GCCCAAACTCCTTCGCTTGGTGTTCTTGCACAG	6486	AQTPSLGVLAQ	11075	TPSLGVL	0.395938	-0.05178

도면33ba

SyS470	1898	GCCCAACCCAACATGATGGGCAGCAGCGCACAG	6487	AQPNMMGSSAQ	11076	PNMMGSS	0.395744	-0.10497
GS228	1899	GCCCAACTCACCCAAAGCCCCGCCCCCGCACAG	6488	AQLTQSPAPAQ	11077	LTQSPAP	0.395705	-0.03746
GS229	1900	GCCCAAAAAGGCAGCAACAGCACCCTCGCACAG	6489	AQKGSNSTLAQ	11078	KGSNSTL	0.395617	0.158094
SyS471	1901	GCCCAACCCATGGCCGCCGCCCCCAGAGCACAG	6490	AQPMAAAPRAQ	11079	PMAAAPR	0.394928	-0.11822
GS230	1902	GCCCAAGTTACGACGGGTCCGAGTCGTGCACAG	6491	AQVTTGPSRAQ	11080	VTTGPSR	0.39486	-0.05507
GS231	1903	GCCCAAGTCGTCAGCCCCCTCAGCTACGCACAG	6492	AQVVSPLSYAQ	11081	VVSPLSY	0.394822	-0.12073
SyS472	1904	GCCCAAGTGACGGGTTCTGTGCAGAAGGCACAG	6493	AQVTGSVQKAQ	11082	VTGSVQK	0.394696	-0.04095
GS232	1905	GCCCAAGGCGGCACCACCGTCCAAACCGCACAG	6494	AQGGTVQTAQ	11083	GGTTVQT	0.39469	-0.06883
SyS473	1906	GCCCAAAACAGCGCCCAAATCAACATGGCACAG	6495	AQNSAQINMAQ	11084	NSAQINM	0.394642	0.174839
GS234	1907	GCCCAACCCGGCACCCAAAAACCCACCGCACAG	6496	AQPGTQKPTAQ	11085	PGTQKPT	0.394239	-0.04567
GP88	1908	GCCCAAGGGAAGGCTAGTCATTATCCTGCACAG	6497	AQGKASHYPAQ	11086	GKASHYP	0.394204	-0.07412
GP89	1909	GCCCAATATAATAGTGTTCCGTCGGCGGCACAG	6498	AQYNSVPSAAQ	11087	YNSVPSA	0.393949	0.00863
SyS474	1910	GCCCAAGTTTATGAGCGGGTTTCTCATGCACAG	6499	AQVYERVSHAQ	11088	VYERVSH	0.393656	0.020329
SyS475	1911	GCCCAAGATGTGAATAATAGGTCTATGGCACAG	6500	AQDVNNRSMAQ	11089	DVNNRSM	0.393538	-0.20588
GS235	1912	GCCCAACCTCATGCGGTTTCTATGCTTGCACAG	6501	AQPHAVSMLAQ	11090	PHAVSML	0.392826	-0.1747
GP90	1913	GCCCAAGGGATGCCTGCTCCTCTTGGTGCACAG	6502	AQGMPAPLGAQ	11091	GMPAPLG	0.392659	-0.07169
SyS476	1914	GCCCAACAGCTTCAGATTAATCCGGCTGCACAG	6503	AQQLQINPAAQ	11092	QLQINPA	0.392185	-0.12586
SyS477	1915	GCCCAAACTATGGATCTGTGCCGCCGGCACAG	6504	AQTMDLSPPAQ	11093	TMDLSPP	0.392185	-0.12586
SyS478	1916	GCCCAAACCACCGACCTCCACGCCAAAGCACAG	6505	AQTTDLHAKAQ	11094	TTDLHAK	0.392056	-0.00463
GS236	1917	GCCCAACACCACACCACCCAAACCACCGCACAG	6506	AQHHTTQTTAQ	11095	HHTTQTT	0.39199	-0.07609
SyS479	1918	GCCCAACCGAGTTCTAATTCTACTAATGCACAG	6507	AQPSSNSTNAQ	11096	PSSNSTN	0.391964	-0.12824
SyS480	1919	GCCCAAACCAGATACAACGTCGACCCCGCACAG	6508	AQTRYNVDPAQ	11097	TRYNVDP	0.391808	0.095996
SyS481	1920	GCCCAAAGCGTCGTCAGCCTCAGCCCCGCACAG	6509	AQSVVSLSPAQ	11098	SVVSLSP	0.391603	0.006038
SyS482	1921	GCCCAAGAAAAAGTCGACCAACTCAGAGCACAG	6510	AQEKVDQLRAQ	11099	EKVDQLR	0.391412	-0.13677
SyS483	1922	GCCCAAAGCGACAGCAGACAAACCCTCGCACAG	6511	AQSDSRQTLAQ	11100	SDSRQTL	0.391412	-0.13677
SyS484	1923	GCCCAAACTTATCCTGCTACGAGTGATGCACAG	6512	AQTYPATSDAQ	11101	TYPATSD	0.391335	0.284964
GS237	1924	GCCCAAAGCATGAACGTCGGCAGCGCCGCACAG	6513	AQSMNVGSAAQ	11102	SMNVGSA	0.391048	-0.05003
GS238	1925	GCCCAACTTGAGTCTAGTAATGCTATTGCACAG	6514	AQLESSNAIAQ	11103	LESSNAI	0.3905	-0.13061
GP91	1926	GCCCAATCTCCGACGAATCATGCTCCTGCACAG	6515	AQSPTNHAPAQ	11104	SPTNHAP	0.389815	0.121844
SyS486	1927	GCCCAAGCGCATGAGGGGATGGTTAAGGCACAG	6516	AQAHEGMVKAQ	11105	AHEGMVK	0.389656	0.111097
SyS487	1928	GCCCAAGTTGATACTTTGTTGTCGAAGGCACAG	6517	AQVDTLLSKAQ	11106	VDTLLSK	0.389333	-0.13837
GS240	1929	GCCCAAACCGCCGGGCCAACTCACCTGGGCACAG	6518	AQTAGQLTWAQ	11107	TAGQLTW	0.38913	-0.16432

도면33bb

SyS488	1930	GCCCAAATGGGCATGGACGGCCAAATCGCACAG	6519	AQMGMDGQIAQ	11108	MGMDGQI	0.38907	-0.16766
SyS489	1931	GCCCAAGAGCTGGAGAATGGTCGTCGTGCACAG	6520	AQELENGRRAQ	11109	ELENGRR	0.38896	-0.14888
GS241	1932	GCCCAACTCGACCTCAGCGTCAGCAGAGCACAG	6521	AQLDLSVSRAQ	11110	LDLSVSR	0.388881	-0.12807
SyS490	1933	GCCCAATCTCAGCATCCGAATATGACGGCACAG	6522	AQSQHPNMTAQ	11111	SQHPNMT	0.388765	0.328765
SyS491	1934	GCCCAATATCATGAGGTGTCGGAGCATGCACAG	6523	AQYHEVSEHAQ	11112	YHEVSEH	0.388683	-0.07979
GS242	1935	GCCCAAATGCGGTCGCCGCCTCCTACGGCACAG	6524	AQMRSPPPTAQ	11113	MRSPPPT	0.388551	-0.14906
GS243	1936	GCCCAAGGTAGTGGTAGTTCGACGATTGCACAG	6525	AQGSGSSTIAQ	11114	GSGSSTI	0.388493	-0.05911
SyS492	1937	GCCCAAGGTGGTGATGCTGGGAGGTGGGCACAG	6526	AQGGDAGRWAQ	11115	GGDAGRW	0.388134	-0.0507
SyS493	1938	GCCCAAAAGGCTGAGGCGATGGTTATTGCACAG	6527	AQKAEAMVIAQ	11116	KAEAMVI	0.387828	-0.0246
SyS494	1939	GCCCAAGCCAACAAAGACCTCGGCGTCGCACAG	6528	AQANKDLGVAQ	11117	ANKDLGV	0.387437	0.102738
SyS495	1940	GCCCAAACGTCGTCGGAGAATAGGACTGCACAG	6529	AQTSSENRTAQ	11118	TSSENRT	0.387311	-0.10606
GS244	1941	GCCCAAGGCCCCGACAGAACCGCCGCCGCACAG	6530	AQGPDRTAAAQ	11119	GPDRTAA	0.387298	-0.02676
SyS496	1942	GCCCAAGGCAGCACCGTCGTCCACCTCGCACAG	6531	AQGSTVVHLAQ	11120	GSTVVHL	0.386932	0.060317
SyS497	1943	GCCCAAACTGCGGTGGTGGTGCCTCAGGCACAG	6532	AQTAVVVPQAQ	11121	TAVVVPQ	0.386787	0.055989
SyS498	1944	GCCCAAGCGGTTAATATTGCTAATGCGGCACAG	6533	AQAVNIANAAQ	11122	AVNIANA	0.386669	-0.05398
SyS499	1945	GCCCAATTGCTGTCTCAGAGTGGGGTGGCACAG	6534	AQLLSQSGVAQ	11123	LLSQSGV	0.386652	-0.15808
SyS500	1946	GCCCAACACACCGGCGAAGGCAAACTCGCACAG	6535	AQHTGEGKLAQ	11124	HTGEGKL	0.386636	0.213701
SyS501	1947	GCCCAAAGCAACGGCAACAACATCAGAGCACAG	6536	AQSNGNNIRAQ	11125	SNGNNIR	0.386253	0.22344
GS245	1948	GCCCAAGAAGTCACCCTCATGCACAAAGCACAG	6537	AQEVTLMHKAQ	11126	EVTLMHK	0.386174	-0.15766
GP92	1949	GCCCAACTTACTACTACGGGGAGTAATGCACAG	6538	AQLTTTGSNAQ	11127	LTTTGSN	0.385682	0.152692
GS247	1950	GCCCAAGACATCAGCGGCAAAATCGCCGCACAG	6539	AQDISGKIAAQ	11128	DISGKIA	0.385274	-0.05387
GS249	1951	GCCCAAATTTCGCCGAATGTTTATAGTGCACAG	6540	AQISPNVYSAQ	11129	ISPNVYS	0.384876	0.050202
GS250	1952	GCCCAATATAATAAGCTTGTTGATGGTGCACAG	6541	AQYNKLVDGAQ	11130	YNKLVDG	0.38484	-0.16146
GS251	1953	GCCCAATTTCATACGCATCCTACGAGTGCACAG	6542	AQFHTHPTSAQ	11131	FHTHPTS	0.384812	-0.07443
GP93	1954	GCCCAACCTACTCTGGAGGCTACGAGTGCACAG	6543	AQPTLEATSAQ	11132	PTLEATS	0.384801	0.117964
SyS503	1955	GCCCAAGAACTCGGCAGAAACGGCCCCGCACAG	6544	AQELGRNGPAQ	11133	ELGRNGP	0.38437	0.084485
SyS504	1956	GCCCAAGTCGACAAAGTCGAAAGAACTCGCACAG	6545	AQVDKVERLAQ	11134	VDKVERL	0.384245	-0.07403
SyS505	1957	GCCCAAACCACCACCATGACCCCCAGAGCACAG	6546	AQTTTMTPRAQ	11135	TTTMTPR	0.384195	0.082987
SyS506	1958	GCCCAACTCCAACAAATCCCCACCCCCGCACAG	6547	AQLQQIPTPAQ	11136	LQQIPTP	0.384174	-0.14405
SyS507	1959	GCCCAAACCGACAGCAACAGCCTCCAAGCACAG	6548	AQTDSNSLQAQ	11137	TDSNSLQ	0.384026	-0.11495
GS252	1960	GCCCAAGACGACAGAAGCGTCAGATTCGCACAG	6549	AQDDRSVRFAQ	11138	DDRSVRF	0.384013	-0.08841
GS253	1961	GCCCAACTTGCTACTCAGAATGCTTCGGCACAG	6550	AQLATQNASAQ	11139	LATQNAS	0.383747	-0.11907

도면33bc

GS254	1962	GCCCAAGTCGGCACCCACATCCACAGCGCACAG	6551	AQVGTHIHSAQ	11140	VGTHIHS	0.383741	-0.07376
SyS508	1963	GCCCAAAGCGAAAGAAGCAGCGTCAAAGCACAG	6552	AQSERSSVKAQ	11141	SERSSVK	0.38368	-0.04815
GS255	1964	GCCCAAGGCTACGCCCACAGCATGATCGCACAG	6553	AQGYAHSMIAQ	11142	GYAHSMI	0.383633	-0.16718
GS256	1965	GCCCAACCGTTGAGTGGGGGTGTTCGTGCACAG	6554	AQPLSGGVRAQ	11143	PLSGGVR	0.383535	-0.18245
GS257	1966	GCCCAACTCACCTACGTCGCCAGCAGCGCACAG	6555	AQLTVVASSAQ	11144	LTVVASS	0.383535	-0.18245
GS258	1967	GCCCAAGTCGACAAAACCCTCAGCAGAGCACAG	6556	AQVDKTLSRAQ	11145	VDKTLSR	0.383399	0.00026
SyS509	1968	GCCCAACCCAACCTCGTCGGCGTCCCCGCACAG	6557	AQPNLVGVPAQ	11146	PNLVGVP	0.383392	-0.17259
SS45	1969	GCCCAAACCAAAATCGACACCGTCAGAGCACAG	6558	AQTKIDTVRAQ	11147	TKIDTVR	0.383311	-0.33355
SyS510	1970	GCCCAAAGCGGCGGCACCCAAGCCAGAGCACAG	6559	AQSGGTQARAQ	11148	SGGTQAR	0.383037	0.132131
SyS511	1971	GCCCAACATAGTACGCCGCTGGTGTCGGCACAG	6560	AQHSTPLVSAQ	11149	HSTPLVS	0.382943	0.058414
SyS512	1972	GCCCAACATTCGGGGACGAATCTTCGTGCACAG	6561	AQHSGTNLRAQ	11150	HSGTNLR	0.382943	-0.13556
SyS513	1973	GCCCAAGCGCAGCCTAGGCTGGTGACTGCACAG	6562	AQAQPRLVTAQ	11151	AQPRLVT	0.382943	-0.13556
SyS514	1974	GCCCAACCTCTTGGTGCGCATGGTTCGGCACAG	6563	AQPLGAHGSAQ	11152	PLGAHGS	0.382943	-0.16466
SyS515	1975	GCCCAAATCAGCGACGCCAGCGTCCTCGCACAG	6564	AQISDASVLAQ	11153	ISDASVL	0.382943	-0.16466
SyS516	1976	GCCCAAATGAGCGTCGGCGTCAAAACCGCACAG	6565	AQMSVGVKTAQ	11154	MSVGVKT	0.382941	0.297777
GS259	1977	GCCCAAAACATCGCCGAAGGCCTCAGCGCACAG	6566	AQNIAEGLSAQ	11155	NIAEGLS	0.382807	-0.14958
SyS517	1978	GCCCAATCGTCGAATTCTGATGGGATTGCACAG	6567	AQSSNSDGIAQ	11156	SSNSDGI	0.382517	-0.12782
SyS518	1979	GCCCAAGTCGGCCAAACCACCAACAGCGCACAG	6568	AQVGQTTNSAQ	11157	VGQTTNS	0.382475	0.202682
SyS519	1980	GCCCAAGAGTCGAAGCGGCCTTTTCTTGCACAG	6569	AQESKRPFLAQ	11158	ESKRPFL	0.382336	-0.02035
SyP37	1981	GCCCAAAGTCAGGAGAATAGTCGTACTGCACAG	6570	AQSQENSRTAQ	11159	SQENSRT	0.382175	-0.03831
SyS520	1982	GCCCAAAATACTGGGACTGATCATCCGGCACAG	6571	AQNTGTDHPAQ	11160	NTGTDHP	0.382096	0.093385
TS140	1983	GCCCAAGGGAATTGGGTTAAGGATATTGCACAG	6572	AQGNWVKDIAQ	11161	GNWVKDI	0.382083	0.231014
SyS521	1984	GCCCAAAGACTCACCGAAACCGTCACCGCACAG	6573	AQRLTETVTAQ	11162	RLTETVT	0.381934	-0.02213
SyS522	1985	GCCCAAGGCGAAATCGGCGTCCTCTACGCACAG	6574	AQGEIGVLYAQ	11163	GEIGVLY	0.381809	-0.12707
SyS523	1986	GCCCAACTGGCTCCGGAGCCGCTTAAGGCACAG	6575	AQLAPEPLKAQ	11164	LAPEPLK	0.38143	-0.18527
SyS524	1987	GCCCAAAACAAACTCCCCCCCGCCCTCGCACAG	6576	AQNKLPPALAQ	11165	NKLPPAL	0.381262	0.008029
SyS525	1988	GCCCAAAATATTGGGACTCGGGATGCGGCACAG	6577	AQNIGTRDAAQ	11166	NIGTRDA	0.38124	-0.20466
GS262	1989	GCCCAAACCGTCAGAGAACTCCAACCCGCACAG	6578	AQTVRELQPAQ	11167	TVRELQP	0.380962	-0.03275
SyS526	1990	GCCCAAGAGAATCATGGTACGACTAGTGCACAG	6579	AQENHGTTSAQ	11168	ENHGTTS	0.380821	0.0704
GS263	1991	GCCCAACACACCGACAGAAACTACGTCGCACAG	6580	AQHTDRNYVAQ	11169	HTDRNYV	0.380666	-0.06073
SyS528	1992	GCCCAAACTGTTGGTCCGACGTCTCATGCACAG	6581	AQTVGPTSHAQ	11170	TVGPTSH	0.380499	0.283908
SyS529	1993	GCCCAAGGCCTCGTCAAAGACCACCCCGCACAG	6582	AQGLVKDHPAQ	11171	GLVKDHP	0.380297	0.060613

도면33bd

SyS530	1994	GCCCAAATCAACGCCCTCACCAACGGCGCACAG	6583	AQINALTNGAQ	11172	INALTNG	0.380078	0.298241
SyS531	1995	GCCCAACCCCTCGACAGCAACAGAGACGCACAG	6584	AQPLDSNRDAQ	11173	PLDSNRD	0.380007	-0.00615
GP94	1996	GCCCAACTTAAGGTGACGAAGATTGATGCACAG	6585	AQLKVTKIDAQ	11174	LKVTKID	0.379542	-0.07197
GS264	1997	GCCCAACATAATAGTAATCCTGGGTTGGCACAG	6586	AQHNSNPGLAQ	11175	HNSNPGL	0.379381	-0.02297
GS265	1998	GCCCAAACCACCGTCATCCTCAAAACCGCACAG	6587	AQTTVILKTAQ	11176	TTVILKT	0.379349	-0.13952
GS266	1999	GCCCAACTTGGTAAGGGTATGACTGCGGCACAG	6588	AQLGKGMTAAQ	11177	LGKGMTA	0.379294	0.02198
SyS532	2000	GCCCAATTCAGCATCAGCGACCTCAAAGCACAG	6589	AQFSISDLKAQ	11178	FSISDLK	0.379031	-0.02524
SyS533	2001	GCCCAAAGTACGGATACTCATCTTCCTGCACAG	6590	AQSTDTHLPAQ	11179	STDTHLP	0.378372	-0.01675
TS141	2002	GCCCAATTGAATGCTGTTAAGAATGTTGCACAG	6591	AQLNAVKNVAQ	11180	LNAVKNV	0.378181	0.632673
GP95	2003	GCCCAACGTTCGACTCCGAATACGATTGCACAG	6592	AQRSTPNTIAQ	11181	RSTPNTI	0.377505	0.34596
GP96	2004	GCCCAATTGAGTATTAAGTTGCAGAATGCACAG	6593	AQLSIKLQNAQ	11182	LSIKLQN	0.377502	-0.02247
SyS534	2005	GCCCAAAGTCTTGCGATTACTAGTAGTGCACAG	6594	AQSLAITSSAQ	11183	SLAITSS	0.37731	-0.04258
GS270	2006	GCCCAACGGCAGGATATTACTATTGCTGCACAG	6595	AQRQDITIAAQ	11184	RQDITIA	0.377132	-0.06485
GS271	2007	GCCCAAGGTAATGCTACGCCTCGGTCTGCACAG	6596	AQGNATPRSAQ	11185	GNATPRS	0.377091	0.192946
SyS536	2008	GCCCAAAGCCTCGTCGGCACCCACCAGCGCACAG	6597	AQSLVGTTSAQ	11186	SLVGTTS	0.376972	0.04223
GS272	2009	GCCCAATGGCAGACTCAGGATAAGGAGGCACAG	6598	AQWQTQDKEAQ	11187	WQTQDKE	0.376959	-0.16753
SyS537	2010	GCCCAAACGCCTAATGTGCCGTCTCCGGCACAG	6599	AQTPNVPSPAQ	11188	TPNVPSP	0.376726	-0.06646
SyS539	2011	GCCCAAATTAATACTATTAGTCCGAAGGCACAG	6600	AQINTSPKAQ	11189	INTISPK	0.376382	-0.16102
SyS541	2012	GCCCAACCCCTCGGCACCAGCAACACCGCACAG	6601	AQPLGTSNTAQ	11190	PLGTSNT	0.376355	0.102187
SyS542	2013	GCCCAAAGCCAAGTCAACGGCGGCAAAGCACAG	6602	AQSQVNGGKAQ	11191	SQVNGGK	0.37633	0.282579
SyS543	2014	GCCCAACCGATTAATGATAAGGTGATGGCACAG	6603	AQPINDKVMAQ	11192	PINDKVM	0.376049	0.017194
SyS545	2015	GCCCAAAACGTCAGCAGCAGCATCCTCGCACAG	6604	AQNVSSSILAQ	11193	NVSSSIL	0.375885	0.134279
GS273	2016	GCCCAACAGGCGAATTGGACTGCGTCTGCACAG	6605	AQQANWTASAQ	11194	QANWTAS	0.375563	-0.10129
SyS546	2017	GCCCAAAGACCCGAAAACCACAGCAGCGCACAG	6606	AQRPENHSSAQ	11195	RPENHSS	0.375415	0.065176
GS274	2018	GCCCAAACTAGGAATTTGGATGTTCATGCACAG	6607	AQTRNLDVHAQ	11196	TRNLDVH	0.374612	-0.17829
SyS547	2019	GCCCAAATTAATAGTTCGTTTTCTAAGGCACAG	6608	AQINSSFSKAQ	11197	INSSFSK	0.374256	-0.0095
SyS548	2020	GCCCAATCTATTCAGGGGTCTCAGCGGGCACAG	6609	AQSIQGSQRAQ	11198	SIQGSQR	0.374054	0.007566
SyS549	2021	GCCCAAGTTGTGGCGGTTGGTCAGTTTGCACAG	6610	AQVVAVGQFAQ	11199	VVAVGQF	0.373702	-0.13556
TS143	2022	GCCCAAGTCAACAAAGTCAGAGACGTCGCACAG	6611	AQVNKVRDVAQ	11200	VNKVRDV	0.373538	-0.18383
SyS550	2023	GCCCAAAAGCCTAATGCTCAGATTCAGGCACAG	6612	AQKPNAQIQAQ	11201	KPNAQIQ	0.373406	-0.06161
SyS551	2024	GCCCAAATGTCTATTGGTACGGGTTCGGCACAG	6613	AQMSIGTGSAQ	11202	MSIGTGS	0.373384	0.053851
GS276	2025	GCCCAAGGGCTGCAGGCGACGTATTCTGCACAG	6614	AQGLQATYSAQ	11203	GLQATYS	0.373212	-0.09754

도면33be

SyS552	2026	GCCCAACAAACCCTCAGCGCCAGCAGCGCACAG	6615	AQQTLSASSAQ	11204	QTLSASS	0.373145	-0.04342
GS277	2027	GCCCAAGACCCCCCCAACAAATTCCCGCACAG	6616	AQDPPNKFPAQ	11205	DPPNKFP	0.373042	0.030997
SyS554	2028	GCCCAAAGAATCAGCACCCTCGGCCTCGCACAG	6617	AQRISTLGLAQ	11206	RISTLGL	0.373026	-0.22891
SyS555	2029	GCCCAAAATTCGGATCGTTCGGTTAGTGCACAG	6618	AQNSDRSVSAQ	11207	NSDRSVS	0.372705	-0.18284
GP97	2030	GCCCAATATAATCTGCGTCTTGGGGGGGCACAG	6619	AQYNLRLGGAQ	11208	YNLRLGG	0.37241	-0.00505
SyS556	2031	GCCCAAGTTCAGGATCGGGCGATGACTGCACAG	6620	AQVQDRAMTAQ	11209	VQDRAMT	0.37233	0.095998
SyS557	2032	GCCCAAAGCAGCAGCACCCTCCCCAGAGCACAG	6621	AQSSSTLPRAQ	11210	SSSTLPR	0.37218	0.075239
SyS558	2033	GCCCAAGGCGGCGTCCAAACCGACAGCGCACAG	6622	AQGGVQTDSAQ	11211	GGVQTDS	0.371805	-0.08222
SS48	2034	GCCCAATTGTTGTCTAATAATACTCGGGCACAG	6623	AQLLSNNTRAQ	11212	LLSNNTR	0.371753	-0.20449
SyS559	2035	GCCCAATATCATGCTGCTCAGGCTGTTGCACAG	6624	AQYHAAQAVAQ	11213	YHAAQAV	0.371353	0.02988
GP98	2036	GCCCAAATGAGTGGTGTGGGTAGTTCGGCACAG	6625	AQMSGVGSSAQ	11214	MSGVGSS	0.371229	0.337397
SyS560	2037	GCCCAACTCACCGGCCAAGTCCTCGTCGCACAG	6626	AQLTGQVLVAQ	11215	LTGQVLV	0.370851	-0.08343
SyS561	2038	GCCCAAGCGGTTAATAGGCTGCCTATTGCACAG	6627	AQAVNRLPIAQ	11216	AVNRLPI	0.370811	-0.12454
SyS562	2039	GCCCAAAGTTCTCAGATGCCGTTGCGGGCACAG	6628	AQSSQMPLRAQ	11217	SSQMPLR	0.370795	-0.05174
GS279	2040	GCCCAAAGCAGCAACATCGCCGACAGCGCACAG	6629	AQSSNIADSAQ	11218	SSNIADS	0.370754	-0.10675
SyS563	2041	GCCCAAGTTGTTACGCCGCAGATTAGTGCACAG	6630	AQVVTPQISAQ	11219	VVTPQIS	0.37058	-0.15746
GS280	2042	GCCCAAGATTCTAAGAAGATGAGTTGGGCACAG	6631	AQDSKKMSWAQ	11220	DSKKMSW	0.370419	-0.09553
SyS564	2043	GCCCAAGAGACGTATAAGACTACTCTGGCACAG	6632	AQETYKTTLAQ	11221	ETYKTTL	0.370166	-0.03857
SyS565	2044	GCCCAACTTACTATGGGTAATTCTCTGGCACAG	6633	AQLTMGNSLAQ	11222	LTMGNSL	0.36988	0.014405
SyS566	2045	GCCCAATTTAAGGTTAGTATTCAGCAGGCACAG	6634	AQFKVSIQQAQ	11223	FKVSIQQ	0.369779	-0.20345
SyS567	2046	GCCCAAGATGGTCATGCTCATCTTCCGGCACAG	6635	AQDGHAHLPAQ	11224	DGHAHLP	0.369646	-0.11191
SyS568	2047	GCCCAAACCGCCGTCAGCCTCAGCAACGCACAG	6636	AQTAVSLSNAQ	11225	TAVSLSN	0.369523	-0.01275
SyS569	2048	GCCCAAAGCCAAAACCAAATGCAAACCGCACAG	6637	AQSQNQMQTAQ	11226	SQNQMQT	0.369507	-0.13071
SyS570	2049	GCCCAACAGAGTGTGACTACGCAGCATGCACAG	6638	AQQSVTTQHAQ	11227	QSVTTQH	0.369126	0.146422
SyS571	2050	GCCCAACTCAGCACCGCCCTCACCGTCGCACAG	6639	AQLSTALTVAQ	11228	LSTALTV	0.369039	-0.00037
SyS572	2051	GCCCAACTCGCCAACGCCGTCACCAAAGCACAG	6640	AQLANAVTKAQ	11229	LANAVTK	0.368954	0.183009
GS281	2052	GCCCAAACCGGCCACGTCCACGAAAACGCACAG	6641	AQTGHVHENAQ	11230	TGHVHEN	0.368935	-0.08669
SyS573	2053	GCCCAATCGATTTCGGATACGGCTTCTGCACAG	6642	AQSISDTASAQ	11231	SISDTAS	0.368929	-0.0313
GS282	2054	GCCCAACCCGTCGTCCAAAGCGTCGGCGCACAG	6643	AQPVVQSVGAQ	11232	PVVQSVG	0.368793	-0.15766
GS283	2055	GCCCAACAACACCTCAGCACCGTCAACGCACAG	6644	AQQHLSTVNAQ	11233	QHLSTVN	0.368559	-0.15574
SyS575	2056	GCCCAACTGAGTCATAATACGACGCATGCACAG	6645	AQLSHNTTHAQ	11234	LSHNTTH	0.368528	0.093848
SyS576	2057	GCCCAACCTTCGAATTTTCGAATTCTGCACAG	6646	AQPSNFSNSAQ	11235	PSNFSNS	0.368509	0.141011

도면33bf

SyS577	2058	GCCCAATTTGATAAGTCTGTTCCTAGTGCACAG	6647	AQFDKSVPSAQ	11236	FDKSVPS	0.368326	-0.04816
GS284	2059	GCCCAAACCCAAGCCACCGAAAAAGACGCACAG	6648	AQTQATEKDAQ	11237	TQATEKD	0.368256	-0.09754
SyS578	2060	GCCCAATTGAGTGCGAAGGCTAGTCAGGCACAG	6649	AQLSAKASQAQ	11238	LSAKASQ	0.368184	0.299581
SyS579	2061	GCCCAATCGGTTCAGCCTGCGGTGTCGGCACAG	6650	AQSVQPAVSAQ	11239	SVQPAVS	0.367991	0.197439
SyS580	2062	GCCCAAAGTTTGATGCATGGGACGCCTGCACAG	6651	AQSLMHGTPAQ	11240	SLMHGTP	0.367985	0.049386
GS285	2063	GCCCAACCCACCATCAGAACCAACACCGCACAG	6652	AQPTIRTNTAQ	11241	PTIRTNT	0.367694	-0.04787
SyS581	2064	GCCCAAAATGATTCGCTTAAGGTTAATGCACAG	6653	AQNDSLKVNAQ	11242	NDSLKVN	0.367645	-0.2268
SyS582	2065	GCCCAAAGCACCCAACCCGTCAACAGAGCACAG	6654	AQSTQPVNRAQ	11243	STQPVNR	0.367609	-0.15981
GS286	2066	GCCCAATCTTCGGATAAGCATAATCCTGCACAG	6655	AQSSDKHNPAQ	11244	SSDKHNP	0.367604	0.108588
SyS583	2067	GCCCAATTCCTCGAAAACGCCAAAATCGCACAG	6656	AQFLENAKIAQ	11245	FLENAKI	0.367535	0.026006
SyS584	2068	GCCCAAGTGTCTACTGGTACTCTTAAGGCACAG	6657	AQVSTGTLKAQ	11246	VSTGTLK	0.367523	-0.07858
GS287	2069	GCCCAACGTGATGCGTCTTTGAGTACTGCACAG	6658	AQRDASLSTAQ	11247	RDASLST	0.36722	-0.14238
SyS585	2070	GCCCAAAAGGGTACTGAGATTAAGCTTGCACAG	6659	AQKGTEIKLAQ	11248	KGTEIKL	0.367015	-0.01863
SyS586	2071	GCCCAAATTATGAATCAGCTGGGTGATGCACAG	6660	AQIMNQLGDAQ	11249	IMNQLGD	0.36699	-0.08828
SyS587	2072	GCCCAACCTAGTAATAATACTCAGATTGCACAG	6661	AQPSNNTQIAQ	11250	PSNNTQI	0.366851	-0.10646
SyS588	2073	GCCCAAACTTCGAGTAGTATTACGACTGCACAG	6662	AQTSSSITTAQ	11251	TSSSITT	0.366832	0.041648
SyS589	2074	GCCCAAAGGGATCTGAATGCGCATAATGCACAG	6663	AQRDLNAHNAQ	11252	RDLNAHN	0.366746	0.001434
SyS590	2075	GCCCAAACCGGCTTCGCCAGAAGCGAAGCACAG	6664	AQTGFARSEAQ	11253	TGFARSE	0.366503	-0.14283
GS288	2076	GCCCAACTCGAACAACTCGCCCCCAAAGCACAG	6665	AQLEQLAPKAQ	11254	LEQLAPK	0.36606	-0.18054
SyS591	2077	GCCCAAGCCGCCATGCAAAGCGAAAGAGCACAG	6666	AQAAMQSERAQ	11255	AAMQSER	0.365747	0.085313
GS290	2078	GCCCAACAGCTTAATTATGAGGCGCATGCACAG	6667	AQQLNYEAHAQ	11256	QLNYEAH	0.36537	-0.15497
SyS592	2079	GCCCAAGCCAACCCCGGCAGCCTCCTCGCACAG	6668	AQANPGSLLAQ	11257	ANPGSLL	0.365151	0.332343
GS291	2080	GCCCAACTTAGGCATATTGAGACGCCTGCACAG	6669	AQLRHIETPAQ	11258	LRHIETP	0.365122	-0.10472
SS49	2081	GCCCAACTTCCTCAGAATTCGGCGAAGGCACAG	6670	AQLPQNSAKAQ	11259	LPQNSAK	0.36494	-0.2215
SyS593	2082	GCCCAAGCCGGCAGCCCCATCAGCAGAGCACAG	6671	AQAGSPISRAQ	11260	AGSPISR	0.364661	0.254221
SyS594	2083	GCCCAAAGAGCCACCAACGTCGAAGTCGCACAG	6672	AQRATNVEVAQ	11261	RATNVEV	0.364602	0.350302
SyS595	2084	GCCCAACCCCAACCCAACAACAGAGGCGCACAG	6673	AQPQPNNRGAQ	11262	PQPNNRG	0.364568	0.149339
SyS596	2085	GCCCAATCTCCTTCGACGCCTCATCTTGCACAG	6674	AQSPSTPHLAQ	11263	SPSTPHL	0.364561	-0.038
SyS597	2086	GCCCAACTTTCGAATACTTTGACTAATGCACAG	6675	AQLSNTLTNAQ	11264	LSNTLTN	0.364377	-0.02217
GS292	2087	GCCCAATCGAATAGGGAGGGTTTGATGGCACAG	6676	AQSNREGLMAQ	11265	SNREGLM	0.364262	-0.06434
SyS598	2088	GCCCAAGTCGCCCACAGCCCCCCCAGCGCACAG	6677	AQVAHSPPSAQ	11266	VAHSPPS	0.364259	0.059626
GS293	2089	GCCCAAAGCGTCAAAAACATGCTCACCGCACAG	6678	AQSVKNMLTAQ	11267	SVKNMLT	0.364054	-0.01456

도면33bg

GS294	2090	GCCCAAGGGCTTTCGACTGGTCTTGCTGCACAG	6679	AQGLSTGLAAQ	11268	GLSTGLA	0.36383	-0.09664
GS295	2091	GCCCAAGCCATGAGCAGACCCGAACTCGCACAG	6680	AQAMSRPELAQ	11269	AMSRPEL	0.363746	-0.09205
SyS599	2092	GCCCAAGCCATGGACCTCAAACTCCAAGCACAG	6681	AQAMDLKLQAQ	11270	AMDLKLQ	0.363654	-0.13677
SyS600	2093	GCCCAAGCCGTCGCCGGCCCCACCAAAGCACAG	6682	AQAVAGPTKAQ	11271	AVAGPTK	0.363564	0.026302
SyS601	2094	GCCCAACCTACTCTTGGGTCGCGTACTGCACAG	6683	AQPTLGSRTAQ	11272	PTLGSRT	0.363533	0.006254
SyS602	2095	GCCCAAAGTGAGAATCCTATTGATCCGGCACAG	6684	AQSENPIDPAQ	11273	SENPIDP	0.363529	-0.19011
SyS603	2096	GCCCAAACCAACAACAGCCCCGGCACCGCACAG	6685	AQTNNSPGTAQ	11274	TNNSPGT	0.36339	0.163927
SyS604	2097	GCCCAACACCAGCCCCACCAGCCTCGCACAG	6686	AQHTSPTSLAQ	11275	HTSPTSL	0.363168	0.036859
GS297	2098	GCCCAAAACAACGCCGGCATCAGCATGGCACAG	6687	AQNNAGISMAQ	11276	NNAGISM	0.362679	-0.08459
GS298	2099	GCCCAACTCGTCTACAGCAACAACACCGCACAG	6688	AQLVYSNNTAQ	11277	LVYSNNT	0.362616	-0.14524
SyS605	2100	GCCCAACCGGCGAGTCAGTCTACGACTGCACAG	6689	AQPASQSTTAQ	11278	PASQSTT	0.362362	0.055989
SyS606	2101	GCCCAAGTTCAGGTTGGGCATCCTCTTGCACAG	6690	AQVQVGHPLAQ	11279	VQVGHPL	0.362247	-0.16466
SyS607	2102	GCCCAAGACGCCAGCTACACCGGCACCGCACAG	6691	AQDASYTGTAQ	11280	DASYTGT	0.361961	-0.19133
SyS608	2103	GCCCAAGGGATTACTACTGAGGCGCGGGCACAG	6692	AQGITTEARAQ	11281	GITTEAR	0.361378	-0.11715
SyS609	2104	GCCCAATCTATGCCTCAGCATGCTATTGCACAG	6693	AQSMPQHAIAQ	11282	SMPQHAI	0.361137	-0.01957
SyS610	2105	GCCCAACTCCAAAGCGCCCTCCAAAACGCACAG	6694	AQLQSALQNAQ	11283	LQSALQN	0.361126	-0.20951
SyS611	2106	GCCCAAAAAAGCAGCGACAGCACCAGCGCACAG	6695	AQKSSDSTSAQ	11284	KSSDSTS	0.360758	0.203964
GS300	2107	GCCCAAAAAAGCCCCGCCGGCGCCTCGCACAG	6696	AQKSPAGALAQ	11285	KSPAGAL	0.360597	-0.10382
SyS613	2108	GCCCAAACCGAAATGAGCCTCACCAGCGCACAG	6697	AQTEMSLTSAQ	11286	TEMSLTS	0.360316	-0.1489
SyS614	2109	GCCCAATTGAATAGTGAGACTTTCCTGCACAG	6698	AQLNSETFPAQ	11287	LNSETFP	0.360064	-0.18405
SyS615	2110	GCCCAAAGCGCCCTCAGCCAACAATACGCACAG	6699	AQSALSQQYAQ	11288	SALSQQY	0.359961	-0.08871
GP99	2111	GCCCAACGTTCGGTGGCTAATGTGCCGGCACAG	6700	AQRSVANVPAQ	11289	RSVANVP	0.359888	0.151036
SyS616	2112	GCCCAAAGCAGCGGCGCCACCCTCCAAGCACAG	6701	AQSSGATLQAQ	11290	SSGATLQ	0.359857	0.069108
SyS617	2113	GCCCAACTCAACGGCGGCGCCGCCAGCGCACAG	6702	AQLNGGAASAQ	11291	LNGGAAS	0.359832	-0.13192
SyS619	2114	GCCCAAAGCCACCAAACCACCCCCACCGCACAG	6703	AQSHQTTPTAQ	11292	SHQTTPT	0.359233	-0.10135
GS301	2115	GCCCAATATGAGAATAGTAGTTTGGCACAG	6704	AQYENSSSLAQ	11293	YENSSSL	0.359035	-0.14003
SyS620	2116	GCCCAAATTCAGACTTCTGCTCATACTGCACAG	6705	AQIQTSAHTAQ	11294	IQTSAHT	0.358854	0.06834
SyS621	2117	GCCCAAAGAGAAATCCAAAAAATGAGCGCACAG	6706	AQREIQKMSAQ	11295	REIQKMS	0.358714	-0.09495
SyS622	2118	GCCCAAAGCGCCGGCATGATCAGCCACGCACAG	6707	AQSAGMISHAQ	11296	SAGMISH	0.358383	0.117139
SyS623	2119	GCCCAAATGAGAAGCACCGACAGCGAAGCACAG	6708	AQMRSTDSEAQ	11297	MRSTDSE	0.358219	0.15208
SyS624	2120	GCCCAAAGCCACCCCCAAGGCGACAGCGCACAG	6709	AQSHPQGDSAQ	11298	SHPQGDS	0.358104	-0.12208
SyS625	2121	GCCCAACTCATCGACACCAAAATCAGCGCACAG	6710	AQLIDTKISAQ	11299	LIDTKIS	0.358044	0.03053

도면33bh

SyS626	2122	GCCCAAACCCACCTCAAAGACCTCCTGGCACAG	6711	AQTHLKDLLAQ	11300	THLKDLL	0.357945	0.035942	
GS302	2123	GCCCAAGGTACTTCGAGTGTGCTGATTGCACAG	6712	AQGTSSVLIAQ	11301	GTSSVLI	0.357908	0.009233	
SyS627	2124	GCCCAACCTTTGGTTACGAATGAGCCTGCACAG	6713	AQPLVTNEPAQ	11302	PLVTNEP	0.357827	-0.06917	
GS303	2125	GCCCAAAGAGACCTCAGCCACAACAGCGCACAG	6714	AQRDLSHNSAQ	11303	RDLSHNS	0.357777	-0.14151	
SyS628	2126	GCCCAATATGATAATGAGCATAGGCCGGCACAG	6715	AQYDNEHRPAQ	11304	YDNEHRP	0.3577	0.184576	
SyP39	2127	GCCCAAGTTGGGAGTCATACTATGACGGCACAG	6716	AQVGSHTMTAQ	11305	VGSHTMT	0.357557	-0.04335	
SyS629	2128	GCCCAAGGGCATACGAGTGTGTCTCTGGCACAG	6717	AQGHTSVSLAQ	11306	GHTSVSL	0.357531	-0.06038	
SyS630	2129	GCCCAACTCGACCTCAAAAACCAAAGAGCACAG	6718	AQLDLKNQRAQ	11307	LDLKNQR	0.357396	0.14998	
SyS631	2130	GCCCAACCCGTCGCCAAAATCACCAGCGCACAG	6719	AQPVAKITSAQ	11308	PVAKITS	0.357222	-0.08463	
GS305	2131	GCCCAACTTGAGAATGGGGAAGCCTAAGGCACAG	6720	AQLENGKPKAQ	11309	LENGKPK	0.356969	-0.1617	
GS306	2132	GCCCAAGACCTCGCCAGAGCCACCCTCGCACAG	6721	AQDLARATLAQ	11310	DLARATL	0.356925	-0.11281	
GS307	2133	GCCCAAAAGGTTCGTGATGATAAGCCTGCACAG	6722	AQKVRDDKPAQ	11311	KVRDDKP	0.356843	0.02987	
SS50	2134	GCCCAACACAACGTCGCCATCACCCCGCACAG	6723	AQHNVAITPAQ	11312	HNVAITP	0.356745	-0.25276	
GS308	2135	GCCCAAACCTTCAACGCCACCTACGCCGCACAG	6724	AQTFNATYAAQ	11313	TFNATYA	0.35665	-0.07129	
SyS632	2136	GCCCAAGGCAGCCAAGGCACCATCAGAGCACAG	6725	AQGSQGTIRAQ	11314	GSQGTIR	0.356647	0.346418	
GS309	2137	GCCCAAAGCCTCGGCCACGACGCCAGAGCACAG	6726	AQSLGHDARAQ	11315	SLGHDAR	0.356616	-0.07956	
SyS633	2138	GCCCAACGTAGTGGGCCGGATTCTCTGCACAG	6727	AQRSGPDSSAQ	11316	RSGPDSS	0.356605	0.13964	
SyS634	2139	GCCCAAGCTATGAATCTTCAGAATTTGGCACAG	6728	AQAMNLQNLAQ	11317	AMNLQNL	0.355956	-0.06641	
SyP40	2140	GCCCAACTTCGGGCTGGTCCGGGTGTGGCACAG	6729	AQLRAGPGVAQ	11318	LRAGPGV	0.355879	-0.04263	
SyS636	2141	GCCCAAACCGTCATGAGCAGCAGCGCACAG	6730	AQTVMSSSSAQ	11319	TVMSSSS	0.355682	0.155451	
GS313	2142	GCCCAACATACTTCTCGTGGGTTATGCACAG	6731	AQHTSPVGYAQ	11320	HTSPVGY	0.355451	-0.07506	
SyP41	2143	GCCCAATGGACTTCTCAGGCTACGGCGGCACAG	6732	AQWTSQATAAQ	11321	WTSQATA	0.355301	-0.03985	
SyS637	2144	GCCCAAACGATGAATTCTGTTCCTCGTGCACAG	6733	AQTMNSVPRAQ	11322	TMNSVPR	0.355114	-0.10975	
GS315	2145	GCCCAAGTCAACGGCGGCATGGTCAACGCACAG	6734	AQVNGGMVNAQ	11323	VNGGMVN	0.3551	-0.17381	
GS316	2146	GCCCAAACTAATGCTAGGATGAATACTGCACAG	6735	AQTNARMNTAQ	11324	TNARMNT	0.354728	-0.01679	
SyS638	2147	GCCCAAATCAGCGGCAACATGCACAGCGCACAG	6736	AQISGNMHSAQ	11325	ISGNMHS	0.354683	0.134397	
GS317	2148	GCCCAAAGCGTCGGCGGCGCCAGCTTCGCACAG	6737	AQSVGGASFAQ	11326	SVGGASF	0.354664	-0.04069	
GS318	2149	GCCCAAACCAGCGAAAGCCCCTACAAAGCACAG	6738	AQTSESPYKAQ	11327	TSESPYK	0.354593	-0.18278	
SyS639	2150	GCCCAAGGTCATTTTGGTACTATGTCGGCACAG	6739	AQGHFGTMSAQ	11328	GHFGTMS	0.354408	-0.06031	
SyS640	2151	GCCCAACTTACGACTAGTGGTCTGAAGGCACAG	6740	AQLTTSGLKAQ	11329	LTTSGLK	0.354396	0.01345	
GS319	2152	GCCCAAAGGATTAATTCGTCTACGTATGCACAG	6741	AQRINSSTYAQ	11330	RINSSTY	0.354303	-0.18727	
GP100	2153	GCCCAACTGACTGGTAGTTCGTTGACTGCACAG	6742	AQLTGSSLTAQ	11331	LTGSSLT	0.354102	-0.07405	

도면33bi

SyS641	2154	GCCCAACCGATTCGGGGTACTATTTATGCACAG	6743	AQPIRGTIYAQ	11332	PIRGTIY	0.354066	-0.08153
GS320	2155	GCCCAAACCACCAGCAACAACACCCACGCACAG	6744	AQTTSNNTHAQ	11333	TTSNNTH	0.354066	0.118932
SyS642	2156	GCCCAACAGGTGACTACTAATTTGGATGCACAG	6745	AQQVTTNLDAQ	11334	QVTTNLD	0.353947	-0.09555
SyS643	2157	GCCCAAGCTTTGGATTCTAGTGAGCCGGCACAG	6746	AQALDSSEPAQ	11335	ALDSSEP	0.353947	-0.1889
SyS644	2158	GCCCAATACCCCAAAAACGTCGCCTGGGCACAG	6747	AQYPKNVAWAQ	11336	YPKNVAW	0.353947	-0.20588
SyS645	2159	GCCCAATCTACTACTGGGCGGAATCTGGCACAG	6748	AQSTTGRNLAQ	11337	STTGRNL	0.353947	-0.21436
SyS646	2160	GCCCAAACGAAGCTTATGCAGTCTAATGCACAG	6749	AQTKLMQSNAQ	11338	TKLMQSN	0.353941	0.01478
SyS647	2161	GCCCAAAACAGCTACGGCGACGCCGCCGCACAG	6750	AQNSYGDAAAQ	11339	NSYGDAA	0.3539	-0.07546
SyS648	2162	GCCCAAGAGCATACGGGTGCGCCTGCTGCACAG	6751	AQEHTGAPAAQ	11340	EHTGAPA	0.353742	-0.18861
SyS649	2163	GCCCAACTGCGGACTGAGACGGCGAATGCACAG	6752	AQLRTETANAQ	11341	LRTETAN	0.353402	-0.03968
SyS650	2164	GCCCAAGTCCTCGACGTCAACACCCTCGCACAG	6753	AQVLDVNTLAQ	11342	VLDVNTL	0.353275	-0.15041
SyS651	2165	GCCCAAGACAGAGGCAACGACAAACTCGCACAG	6754	AQDRGNDKLAQ	11343	DRGNDKL	0.353216	0.297443
GS321	2166	GCCCAAAGCTTCACCAACAGCACCCACGCACAG	6755	AQSFTNSTHAQ	11344	SFTNSTH	0.352987	0.109223
SyS652	2167	GCCCAACTCGCCCACAGCAGCCTCAGCGCACAG	6756	AQLAHSSLSAQ	11345	LAHSSLS	0.352724	-0.00659
GS323	2168	GCCCAAAGACTCGTCGACCCCATCCCGCACAG	6757	AQRLVDPIPAQ	11346	RLVDPIP	0.352703	-0.09391
SyS653	2169	GCCCAATGGGGCGACAAAGAAACCTTCGCACAG	6758	AQWGDKETFAQ	11347	WGDKETF	0.352651	-0.15617
SyS654	2170	GCCCAAAGAGACGAACCTCAGCACCGCACAG	6759	AQRDDNLSTAQ	11348	RDDNLST	0.352538	-0.05395
SyS655	2171	GCCCAATCTAAGCAGTTGATTGATACTGCACAG	6760	AQSKQLIDTAQ	11349	SKQLIDT	0.352442	-0.22803
GS325	2172	GCCCAATTTCAGAATCAGACTGTTGGTGCACAG	6761	AQFQNQTVGAQ	11350	FQNQTVG	0.352245	-0.04999
SyS656	2173	GCCCAAGTCTTCAGCAGCGACAGCCTCGCACAG	6762	AQVFSSDSLAQ	11351	VFSSDSL	0.352214	0.031487
SyS657	2174	GCCCAATATGCGCAGCAGTTGCCTGTGGCACAG	6763	AQYAQQLPVAQ	11352	YAQQLPV	0.352069	-0.06517
SyS658	2175	GCCCAAATTGTGACTGGTACTACGCAGGCACAG	6764	AQIVTGTTQAQ	11353	IVTGTTQ	0.351501	-0.17505
SyS659	2176	GCCCAAAGCAAAATCACCGAAAGCAACGCACAG	6765	AQSKITESNAQ	11354	SKITESN	0.351451	0.084909
SyS660	2177	GCCCAAATTGCTGGGCAGGTGGGGGGCGGCACAG	6766	AQIAGQVGAAQ	11355	IAGQVGA	0.351384	0.33939
SyS661	2178	GCCCAAGGTTATAGTCAGACGCCTCATGCACAG	6767	AQGYSQTPHAQ	11356	GYSQTPH	0.351298	0.03403
GS326	2179	GCCCAAGGTTTGGCGTTGCGTCCTGATGCACAG	6768	AQGLALRPDAQ	11357	GLALRPD	0.35125	-0.09087
SyS662	2180	GCCCAAAACGCCCGTCAGCAACAACACCGCACAG	6769	AQNAVSNNTAQ	11358	NAVSNNT	0.351208	0.221429
SyS663	2181	GCCCAAAACCAAAGCACCCTCCCCACCGCACAG	6770	AQNQSTLPTAQ	11359	NQSTLPT	0.351121	0.2934
GS328	2182	GCCCAAACCAGCATCCCCGACAAACCCGCACAG	6771	AQTSIPDKPAQ	11360	TSIPDKP	0.351033	-0.02153
SyS664	2183	GCCCAAGGCAGCAGCACCGCCAGCCTCGCACAG	6772	AQGSSTASLAQ	11361	GSSTASL	0.350993	0.260874
GS329	2184	GCCCAAAGAATCATCGGCACCGCCACCGCACAG	6773	AQRIIGTATAQ	11362	RIIGTAT	0.350979	-0.11461
GP101	2185	GCCCAAAGTTTGAATGGGGGTCGGACGGCACAG	6774	AQSLNGGRTAQ	11363	SLNGGRT	0.35082	0.208517

도면33bj

GS330	2186	GCCCAACCGGTGAAGACTGTTGGGATTGCACAG	6775	AQPVKTVGIAQ	11364	PVKTVGI	0.350777	-0.15669
GS331	2187	GCCCAACAGCCGTCTGCGATTCCGAATGCACAG	6776	AQQPSAIPNAQ	11365	QPSAIPN	0.350511	-0.03818
SyS666	2188	GCCCAATTCGCCAGCAGCGTCAGCGCCGCACAG	6777	AQFASSVSAAQ	11366	FASSVSA	0.35031	-0.00733
SyS667	2189	GCCCAAGAAGGCAACCTCACCAAACTCGCACAG	6778	AQEGNLTKLAQ	11367	EGNLTKL	0.350039	-0.17629
GS333	2190	GCCCAATTGGGGACTAGGACTACTTCTGCACAG	6779	AQLGTRTTSAQ	11368	LGTRTTS	0.349926	0.147471
GS334	2191	GCCCAAACTCATCGTGATTTTCTCCTGCACAG	6780	AQTHRDFSPAQ	11369	THRDFSP	0.349916	-0.17201
SyS668	2192	GCCCAAACCGGCGTCAGCACCGGCGTCGCACAG	6781	AQTGVSTGVAQ	11370	TGVSTGV	0.349619	-0.05108
SyS669	2193	GCCCAAGTGCCGAATAATTCGCAGCGGGCACAG	6782	AQVPNNSQRAQ	11371	VPNNSQR	0.349519	-0.04801
GS335	2194	GCCCAAATGCCCAGCGGCGTCCCGTCGCACAG	6783	AQMPSGVPVAQ	11372	MPSGVPV	0.349514	-0.10759
GS336	2195	GCCCAAAACGCCCTCCCCAGACCCAACGCACAG	6784	AQNALPRPNAQ	11373	NALPRPN	0.349247	-0.07734
SyS670	2196	GCCCAACGGACGGATCATTCTCAGATTGCACAG	6785	AQRTDHSQIAQ	11374	RTDHSQI	0.349055	0.104306
GS337	2197	GCCCAACAAACCCTCAAAGCGGCCTACGCACAG	6786	AQQTLKSAYAQ	11375	QTLKSAY	0.349045	-0.12676
GS338	2198	GCCCAAAAGGAGGAGCATACGCGGGGGGCACAG	6787	AQKEEHTRGAQ	11376	KEEHTRG	0.349029	-0.12253
SyS671	2199	GCCCAACTCCCCGCCGCCCCCAGATACGCACAG	6788	AQLPAAPRYAQ	11377	LPAAPRY	0.348993	-0.20103
SyS672	2200	GCCCAACTGGATAAGGCGCATTTTGCTGCACAG	6789	AQLDKAHFAAQ	11378	LDKAHFA	0.348667	0.240412
SyS673	2201	GCCCAACACGCCATCGACGCCGTCAAAGCACAG	6790	AQHAIDAVKAQ	11379	HAIDAVK	0.348532	-0.11859
GS340	2202	GCCCAACCGATTCTTACGGCTGTGCCGGCACAG	6791	AQPILTAVPAQ	11380	PILTAVP	0.348418	-0.18547
GS341	2203	GCCCAAACCGTCCAACAAAGCGCCATGGCACAG	6792	AQTVQQSAMAQ	11381	TVQQSAM	0.348333	0.005294
GS342	2204	GCCCAATCGGAGGGGATTGGTGGTCGTGCACAG	6793	AQSEGIGGRAQ	11382	SEGIGGR	0.348134	-0.14524
SyS674	2205	GCCCAAATGGGTTCTACTGTTACTCGTGCACAG	6794	AQMGSTVTRAQ	11383	MGSTVTR	0.348015	0.199144
SyS675	2206	GCCCAAAGCGTCAGAAGCCCCACCAAAGCACAG	6795	AQSVRSPTKAQ	11384	SVRSPTK	0.347898	-0.14405
SyS676	2207	GCCCAAACTACGGCGTGATGTTACTACGGCACAG	6796	AQTTRDVTTAQ	11385	TTRDVTT	0.347689	-0.08907
GS343	2208	GCCCAATCGGCGGCTGGGAAGACTTATGCACAG	6797	AQSAAGKTYAQ	11386	SAAGKTY	0.347647	-0.11818
SyS677	2209	GCCCAAACGACGCCGAGTACTGTTCGTGCACAG	6798	AQTTPSTVRAQ	11387	TTPSTVR	0.347437	0.192531
SyS678	2210	GCCCAAGTTGCTCTGACGACGGTTGCACAG	6799	AQVALTTTVAQ	11388	VALTTTV	0.347428	-0.14068
SyS679	2211	GCCCAAGATACGCAGCTTCCGCTGAGTGCACAG	6800	AQDTQLPLSAQ	11389	DTQLPLS	0.347386	-0.16102
SS52	2212	GCCCAAAACGCCGTCAGCAACCCCCTCGCACAG	6801	AQNAVSNPLAQ	11390	NAVSNPL	0.347346	-0.29875
GS344	2213	GCCCAAATGGAACTCAAATACCAAAGAGCACAG	6802	AQMELKYQRAQ	11391	MELKYQR	0.347339	-0.07279
GS345	2214	GCCCAAAACAGCCTCCACGGCCACGCCGCACAG	6803	AQNSLHGHAAQ	11392	NSLHGHA	0.347161	-0.15227
SyS680	2215	GCCCAACACAGCCCCAGCCTCAGCGACGCACAG	6804	AQHSPSLSDAQ	11393	HSPSLSD	0.347084	-0.08881
SyS681	2216	GCCCAAGGCAGCGTCACCAGCCTCGGCGCACAG	6805	AQGSVTSLGAQ	11394	GSVTSLG	0.346855	-0.16397
SyS682	2217	GCCCAAAGAGAAGTCAGCAGCACCACGCACAG	6806	AQREVSSTTAQ	11395	REVSSTT	0.346744	0.143514

도면33bk

GS346	2218	GCCCAAGGTAAGGCGACGCTTGATACTGCACAG	6807	AQGKATLDTAQ	11396	GKATLDT	0.346704	-0.12044
GS347	2219	GCCCAAACTTAATCCTCTTTGAATAATGCACAG	6808	AQLNPPLNNAQ	11397	LNPPLNN	0.346683	-0.15676
SyS683	2220	GCCCAAACTTCTGGGCATTCGCCGTCGGCACAG	6809	AQTSGHSPSAQ	11398	TSGHSPS	0.346676	0.010364
SyS684	2221	GCCCAAGACGTCACCGCCACCGCCCCGCACAG	6810	AQDVTATAPAQ	11399	DVTATAP	0.346433	-0.18648
GS349	2222	GCCCAACACCAAAACACCGGCAGCGTCGCACAG	6811	AQHQNTGSVAQ	11400	HQNTGSV	0.346357	-0.01619
SyS686	2223	GCCCAAGATCTTACGCATACTTTTGATGCACAG	6812	AQDLTHTFDAQ	11401	DLTHTFD	0.34605	-0.19496
GS350	2224	GCCCAATACCTCCCCCAACAAAGAAAGAGCACAG	6813	AQYLPNKERAQ	11402	YLPNKER	0.345987	-0.05272
SyS687	2225	GCCCAAGTGGATGGTACGTATACGGTGGCACAG	6814	AQVDGTYTVAQ	11403	VDGTYTV	0.345915	-0.0622
SyS688	2226	GCCCAATACCTCACCAGCGGCGGCTACGCACAG	6815	AQYLTSGGYAQ	11404	YLTSGGY	0.345752	-0.13798
SyS689	2227	GCCCAAGCCAGCCTCGTCGTCGCCGCACAG	6816	AQASLVVVAAQ	11405	ASLVVVA	0.3457	-0.17072
SyS690	2228	GCCCAATTTGATGCTAATTCGAAGATTGCACAG	6817	AQFDANSKIAQ	11406	FDANSKI	0.345431	-0.14647
SyS691	2229	GCCCAATACCTCACCGAAAGCCCCGGCGCACAG	6818	AQYLTESPGAQ	11407	YLTESPG	0.345425	-0.15781
GS351	2230	GCCCAAAGAAACGCCAGCCTCGACCCCGCACAG	6819	AQRNASLDPAQ	11408	RNASLDP	0.345339	-0.0446
GP103	2231	GCCCAAGCGGGGAGTCCTCGTGCGGGTGCACAG	6820	AQAGSPRAGAQ	11409	AGSPRAG	0.345002	-0.07336
SyS692	2232	GCCCAAAGAGTCGAAAAACTCACCCCCGCACAG	6821	AQRVEKLTPAQ	11410	RVEKLTP	0.344773	-0.07567
SyS693	2233	GCCCAAAGAACCACCGGCGACAACACCGCACAG	6822	AQRTTGDNTAQ	11411	RTTGDNT	0.344747	0.190402
SyS694	2234	GCCCAACCCGCCGCCACCAGCGGCTTCGCACAG	6823	AQPAATSGFAQ	11412	PAATSGF	0.344706	-0.16344
SyS695	2235	GCCCAAATTCTTACGATTCATACGCATGCACAG	6824	AQLTIHTHAQ	11413	LTIHTH	0.344626	-0.22042
GS354	2236	GCCCAAATCAACATCAGCAGCCACGTCGCACAG	6825	AQINISSHVAQ	11414	INISSHV	0.34453	-0.03881
GS355	2237	GCCCAACCCAGCGGCAGCGCCAGAAGCGCACAG	6826	AQPSGSARSAQ	11415	PSGSARS	0.344116	-0.15192
SyS696	2238	GCCCAAAGTACGATGCCGACTAGGCTGGCACAG	6827	AQSTMPTRLAQ	11416	STMPTRL	0.344089	-0.10729
SyS697	2239	GCCCAACTCTACGCCAGCGCCGGCGTCGCACAG	6828	AQLYASAGVAQ	11417	LYASAGV	0.34374	-0.13192
GP104	2240	GCCCAATTGGTTCAGACGGGGCTGCTGGCACAG	6829	AQLVQTGLLAQ	11418	LVQTGLL	0.343691	-0.07266
GS357	2241	GCCCAAGTCAGCCTCAACAGAACCGAAGCACAG	6830	AQVSLNRTEAQ	11419	VSLNRTE	0.343359	-0.01647
SyP42	2242	GCCCAAGGTGGGAGGGAGAGTTCTTTGGCACAG	6831	AQGGRESSLAQ	11420	GGRESSL	0.343358	-0.04339
GS358	2243	GCCCAAGTGGAGAGGATGCCGAGGATGGCACAG	6832	AQVERMPRMAQ	11421	VERMPRM	0.343043	-0.03534
SyS699	2244	GCCCAACCCCAAATCGGCATCCCCGACGCACAG	6833	AQPQIGIPDAQ	11422	PQIGIPD	0.342946	-0.05619
GS359	2245	GCCCAAGCTACGGTGAAGTCGAGTACTGCACAG	6834	AQATVKSSTAQ	11423	ATVKSST	0.342874	0.027178
SyS700	2246	GCCCAAGGCGGCAACGTCCAAGCCATCGCACAG	6835	AQGGNVQAIAQ	11424	GGNVQAI	0.342847	-0.0119
SyS701	2247	GCCCAAACTATTGTTAATGTTACTAGTGCACAG	6836	AQTIVNVTSAQ	11425	TIVNVTS	0.342809	-0.19739
SyS702	2248	GCCCAAGGCGACCCCGCCCAAAGCAGCGCACAG	6837	AQGDPAQSSAQ	11426	GDPAQSS	0.342651	-0.10889
SyS703	2249	GCCCAAACTAAGAATACTGATTTTCAGGCACAG	6838	AQTKNTDFQAQ	11427	TKNTDFQ	0.34251	-0.02105

도면33b1

GS361	2250	GCCCAAAGACACCGACGCCGTCATCGCACAG	6839	AQRHTDAVIAQ	11428	RHTDAVI	0.342481	-0.12298
SyS704	2251	GCCCAAAGCGTCCACACCGCCGTCAGAGCACAG	6840	AQSVHTAVRAQ	11429	SVHTAVR	0.342291	-0.02887
SyS705	2252	GCCCAAATCACCAGCCTCATGAGCGGCGCACAG	6841	AQITSLMSGAQ	11430	ITSLMSG	0.342264	-0.11737
SyS706	2253	GCCCAAGACCACAACCAAATCAGCCTCGCACAG	6842	AQDHNQISLAQ	11431	DHNQISL	0.341991	-0.16587
GS362	2254	GCCCAACAAGGCCAAAGCGCCCTCAAAGCACAG	6843	AQQGQSALKAQ	11432	QGQSALK	0.341744	0.009075
TS146	2255	GCCCAAAACAACGCCACCAGATACACCGCACAG	6844	AQNNATRYTAQ	11433	NNATRYT	0.34159	0.011557
SyS707	2256	GCCCAATCGCGTAATACGACTTCGTGGGCACAG	6845	AQSRNTTSWAQ	11434	SRNTTSW	0.341535	-0.21436
GS364	2257	GCCCAACCTAGTAATTCGAAGCTGATTGCACAG	6846	AQPSNSKLIAQ	11435	PSNSKLI	0.341264	-0.05716
SyS709	2258	GCCCAAAAAACCGTCAGCCTCAACGACGCACAG	6847	AQKTVSLNDAQ	11436	KTVSLND	0.341072	0.177223
SyS710	2259	GCCCAAACCCCCCTCCCCAGAGTCAGCGCACAG	6848	AQTPLPRVSAQ	11437	TPLPRVS	0.340871	-0.18284
GS365	2260	GCCCAACAGACTATTGCGAGTGCTTTGGCACAG	6849	AQQTIASALAQ	11438	QTIASAL	0.340714	-0.14779
GS366	2261	GCCCAACCTATTATGAAGACGGACGGTTGCACAG	6850	AQPIMKTTVAQ	11439	PIMKTTV	0.340641	-0.111
SyS711	2262	GCCCAAAGTGCGGTTATTCAGGGGCATGCACAG	6851	AQSAVIQGHAQ	11440	SAVIQGH	0.340621	-0.08096
SyS712	2263	GCCCAACCGCTGTATGGTACGATGTCTGCACAG	6852	AQPLYGTMSAQ	11441	PLYGTMS	0.34044	-0.21325
TS147	2264	GCCCAAGCGAATCGGACTAAGGATTATGCACAG	6853	AQANRTKDYAQ	11442	ANRTKDY	0.34043	0.212101
SyS713	2265	GCCCAAGTTATTCCGCAGACGGAGAGGGCACAG	6854	AQVIPQTERAQ	11443	VIPQTER	0.34041	-0.15132
SS53	2266	GCCCAAATCGTCAACGGCCACATCAGAGCACAG	6855	AQIVNGHIRAQ	11444	IVNGHIR	0.340404	-0.39357
SyS714	2267	GCCCAAAGCAGACCCAACGAAACCACCGCACAG	6856	AQSRPNETTAQ	11445	SRPNETT	0.340281	0.437826
SyS716	2268	GCCCAAGGGTATACTCCGGTTTCGAGGGCACAG	6857	AQGYTPVSRAQ	11446	GYTPVSR	0.34003	-0.22803
SyS717	2269	GCCCAACCTCTGCAGAGGACTATTGGGGCACAG	6858	AQPLQRTIGAQ	11447	PLQRTIG	0.340023	-0.17557
GS367	2270	GCCCAAAGCACCGGCAGCCCCACCATCGCACAG	6859	AQSTGSPTIAQ	11448	STGSPTI	0.339967	-0.092
SyS718	2271	GCCCAAAGTACTATGACGGGGCTGATTGCACAG	6860	AQSTMTGLIAQ	11449	STMTGLI	0.339737	-0.05431
GS368	2272	GCCCAAATCCACGCCGTCGGCGCCGAAGCACAG	6861	AQIHAVGAEAQ	11450	IHAVGAE	0.33972	-0.18099
SyS719	2273	GCCCAAACCGCCAACGTCAGCGAACTCGCACAG	6862	AQTANVSELAQ	11451	TANVSEL	0.33963	-0.05039
SyS720	2274	GCCCAAAACAAAGCGACATGCCCCACGCACAG	6863	AQNKSDMPHAQ	11452	NKSDMPH	0.339521	0.149221
SyS721	2275	GCCCAAAGCAACTACAACACCCACGACGCACAG	6864	AQSNYNTHDAQ	11453	SNYNTHD	0.339506	0.012789
SyS722	2276	GCCCAACCGAGTGTTACTCATCATCCGGCACAG	6865	AQPSVTHHPAQ	11454	PSVTHHP	0.339089	0.133746
GS369	2277	GCCCAAAATTTGAGTCTTAAGCCGCTGGCACAG	6866	AQNLSLKPLAQ	11455	NLSLKPL	0.338682	-0.1774
TS148	2278	GCCCAACTTTATTCGAATAAGAGTAATGCACAG	6867	AQLYSNKSNAQ	11456	LYSNKSN	0.338445	-0.09092
SyS725	2279	GCCCAAGATAATGGTCTGGTTCATAGGGCACAG	6868	AQDNGLVHRAQ	11457	DNGLVHR	0.337855	-0.05918
SyS726	2280	GCCCAAATGGGCACCCTCACCATCAGCGCACAG	6869	AQMGTLTISAQ	11458	MGTLTIS	0.337855	-0.20103
GS370	2281	GCCCAAACTTTTCAGTCTGATGAGAGGGCACAG	6870	AQTFQSDERAQ	11459	TFQSDER	0.337719	-0.16573

도면33bm

GS371	2282	GCCCAAATCGTCACCGGCGCCTACAGAGCACAG	6871	AQIVTGAYRAQ	11460	IVTGAYR	0.337298	-0.16814
SyS727	2283	GCCCAAACCGTGTCAACCCCAGCAGCGCACAG	6872	AQTVVNPSSAQ	11461	TVVNPSS	0.337204	0.129144
GP105	2284	GCCCAAGATAATAATGTTAGGCATACGGCACAG	6873	AQDNNVRHTAQ	11462	DNNVRHT	0.33706	0.231989
GS373	2285	GCCCAAGATCGTTCGCAGAATTCGTTGGCACAG	6874	AQDRSQNSLAQ	11463	DRSQNSL	0.337028	0.002952
SyS728	2286	GCCCAACATCTCCTGTGCCGGCGTCTGCACAG	6875	AQHPPVPASAQ	11464	HPPVPAS	0.336942	0.072962
SyS729	2287	GCCCAAAAATACATCACCCCCAGCAGCGCACAG	6876	AQKYITPSSAQ	11465	KYITPSS	0.336738	-0.12344
GS374	2288	GCCCAAGTGCCGGATAAGCAGGCGATGGCACAG	6877	AQVPDKQAMAQ	11466	VPDKQAM	0.336567	-0.02576
SyS730	2289	GCCCAAGTTATTGCGAAGACTGAGTATGCACAG	6878	AQVIAKTEYAQ	11467	VIAKTEY	0.33656	-0.04584
SyS731	2290	GCCCAAGGGGGGCAGGCGGAGGCGCGGGCACAG	6879	AQGGQAEARAQ	11468	GGQAEAR	0.336557	-0.04446
SyS732	2291	GCCCAACAACCCGTCCTCAACCAACCCGCACAG	6880	AQQPVLNQPAQ	11469	QPVLNQP	0.336549	0.089177
GS375	2292	GCCCAAAATAATACTAATGAGAATCTTGCACAG	6881	AQNNTNENLAQ	11470	NNTNENL	0.336205	-0.15048
SyS733	2293	GCCCAAACTAATCTGTCTGTCGTCGGCACAG	6882	AQTNLSLSSAQ	11471	TNLSLSS	0.336067	0.24816
SyS734	2294	GCCCAAGGTCAGTCGAGTGATGAGCGGGCACAG	6883	AQGQSSDERAQ	11472	GQSSDER	0.336014	0.211316
GS376	2295	GCCCAAACCCACGCCACCACCTTCGCCGCACAG	6884	AQTHATTFAAQ	11473	THATTFA	0.335849	-0.02171
SyS736	2296	GCCCAAACCAGCCAACAAGACAGAAGCGCACAG	6885	AQTSQQDRSAQ	11474	TSQQDRS	0.335683	-0.02651
GS377	2297	GCCCAAGCGTTGTTGCATCGTGAGGCGGCACAG	6886	AQALLHREAAQ	11475	ALLHREA	0.335641	-0.13881
SyS737	2298	GCCCAAAATCCGAGTGTTACTGCTCTTGCACAG	6887	AQNPSVTALAQ	11476	NPSVTAL	0.335537	-0.07068
GS378	2299	GCCCAAGTCGCCAACCTCAACAGCAGAGCACAG	6888	AQVANLNSRAQ	11477	VANLNSR	0.335302	-0.03973
SyS739	2300	GCCCAAACCATGCTCCTCGAACCCAAAGCACAG	6889	AQTMLLEPKAQ	11478	TMLLEPK	0.335297	-0.20955
SyS740	2301	GCCCAAAATGTTAGGCCTTCGACTTATGCACAG	6890	AQNVRPSTYAQ	11479	NVRPSTY	0.335144	-0.11737
GS379	2302	GCCCAAGTGATTCATATTACGAATACGGCACAG	6891	AQVIHITNTAQ	11480	VIHITNT	0.334532	-0.12797
SyS741	2303	GCCCAAAGCAACCCCAGCCTCCTCACCGCACAG	6892	AQSNPSLLTAQ	11481	SNPSLLT	0.334488	-0.16466
SyS742	2304	GCCCAATATCAGGATAATGCTAGGCTTGCACAG	6893	AQYQDNARLAQ	11482	YQDNARL	0.33435	-0.22434
SyS743	2305	GCCCAAATCCAAGGCCTCACCAGCCACGCACAG	6894	AQIQGLTSHAQ	11483	IQGLTSH	0.334337	0.418222
GP106	2306	GCCCAAACTTATAATCAGGGTAAGCAGGCACAG	6895	AQTYNQGKQAQ	11484	TYNQGKQ	0.334287	-0.07398
GS380	2307	GCCCAAGCTCCTACGGGGATGAAGCATGCACAG	6896	AQAPTGMKHAQ	11485	APTGMKH	0.334244	-0.16753
SyS745	2308	GCCCAAATGAGTGGTGAGCTTATTCGTGCACAG	6897	AQMSGELIRAQ	11486	MSGELIR	0.333966	-0.05676
GS381	2309	GCCCAAAGACTCAACACCAGCCACCTCGCACAG	6898	AQRLNTSHLAQ	11487	RLNTSHL	0.33391	0.026856
SyS746	2310	GCCCAAGCGACGGCTCTGGCGGGCGGGTGCACAG	6899	AQATALAAGAQ	11488	ATALAAG	0.333841	-0.19618
SyS747	2311	GCCCAACCTATTTCGGGGCTTAAGTCGGCACAG	6900	AQPISGLKSAQ	11489	PISGLKS	0.333712	-0.18245
SyS748	2312	GCCCAAGAGCGTACTTTTAATCCGGCTGCACAG	6901	AQERTFNPAAQ	11490	ERTFNPA	0.333392	-0.01544
SyS749	2313	GCCCAAATGAGTAATATTTCTAGTGTGGCACAG	6902	AQMSNISSVAQ	11491	MSNISSV	0.333354	0.062249

도면33bn

GS382	2314	GCCCAAAGAGACGCCAGACTCAGCCCCGCACAG	6903	AQRDARLSPAQ	11492	RDARLSP	0.332845	-0.01943
SyS750	2315	GCCCAAGACCACTACGTCAACACCAGAGCACAG	6904	AQDHYVNTRAQ	11493	DHYVNTR	0.332785	-0.19723
SyS752	2316	GCCCAACCTGGGACTGCTGTTCGTCTGGCACAG	6905	AQPGTAVRLAQ	11494	PGTAVRL	0.332711	-0.18163
SyS753	2317	GCCCAAGACAAAGGCACCCTCAGCGAAGCACAG	6906	AQDKGTLSEAQ	11495	DKGTLSE	0.332541	-0.08949
GS383	2318	GCCCAATCGATTCCTAGGACGGATAATGCACAG	6907	AQSIPRTDNAQ	11496	SIPRTDN	0.332462	-0.00974
SyS754	2319	GCCCAAGAGCCGGTTCTTCATACTGTTGCACAG	6908	AQEPVLHTVAQ	11497	EPVLHTV	0.332214	-0.19739
GS385	2320	GCCCAAGACAGAGCCATCCTCAACAGCGCACAG	6909	AQDRAILNSAQ	11498	DRAILNS	0.332175	-0.04121
SyS755	2321	GCCCAAGAAATCGGCAGCCTCAGACAAGCACAG	6910	AQEIGSLRQAQ	11499	EIGSLRQ	0.332133	-0.16273
SyS756	2322	GCCCAAGCCTTCGTCGGCGCCACCCCCGCACAG	6911	AQAFVGATPAQ	11500	AFVGATP	0.332091	-0.0026
GS386	2323	GCCCAATTCGTCCAAAACAAAGACGCCGCACAG	6912	AQFVQNKDAAQ	11501	FVQNKDA	0.332078	-0.07421
SyS758	2324	GCCCAAAGGGATAAGGCGGGGCCTACGGCACAG	6913	AQRDKAGPTAQ	11502	RDKAGPT	0.331877	0.088605
GS387	2325	GCCCAACTCCTCCCCACCGCCCACAACGCACAG	6914	AQLLPTAHNAQ	11503	LLPTAHN	0.331739	0.074733
SyS759	2326	GCCCAACCCAACGGCATCACCAGCACCGCACAG	6915	AQPNGITSTAQ	11504	PNGITST	0.330938	-0.07827
GP108	2327	GCCCAATCGGGTGTGACGAAGGGTAGTGCACAG	6916	AQSGVTKGSAQ	11505	SGVTKGS	0.330938	-0.07433
SyS760	2328	GCCCAAATGAACAGCACCATCAGCCACGCACAG	6917	AQMNSTISHAQ	11506	MNSTISH	0.330866	0.28997
GS389	2329	GCCCAATACAAAAGCGACGTCGGCAGCGCACAG	6918	AQYKSDVGSAQ	11507	YKSDVGS	0.330858	-0.10092
GS390	2330	GCCCAACCGGTGACGCGTGTTAATCTTGCACAG	6919	AQPVTRVNLAQ	11508	PVTRVNL	0.330856	-0.18099
SyS761	2331	GCCCAAAGAAACGTGCCGACGGCCTCGCACAG	6920	AQRNVADGLAQ	11509	RNVADGL	0.330693	0.111344
GS391	2332	GCCCAAGCTTCGGCTACTTCGATTACTGCACAG	6921	AQASATSITAQ	11510	ASATSIT	0.330598	-0.15766
SyS762	2333	GCCCAAAGCGGCACCGCCAGCAACGTCGCACAG	6922	AQSGTASNVAQ	11511	SGTASNV	0.330558	-0.00713
SyS763	2334	GCCCAACGGCAGGATCTTGGTAGTACTGCACAG	6923	AQRQDLGSTAQ	11512	RQDLGST	0.330378	0.022044
SyS764	2335	GCCCAAGACAGCGCCCTCATCAGCAAAGCACAG	6924	AQDSALISKAQ	11513	DSALISK	0.330309	-0.10674
SyS765	2336	GCCCAAAACAACGGCCTCAACAGCGCCGCACAG	6925	AQNNGLNSAAQ	11514	NNGLNSA	0.329752	0.087826
SyS766	2337	GCCCAAGCTGCGAGTGAGCGTCGGATGGCACAG	6926	AQAASERRMAQ	11515	AASERRM	0.32966	-0.15374
GS393	2338	GCCCAACGTCATTCTGCTGTGCCTGAGGCACAG	6927	AQRHSAVPEAQ	11516	RHSAVPE	0.329584	-0.11663
GS394	2339	GCCCAATATCAGGATACGAAGGGGCAGGCACAG	6928	AQYQDTKGQAQ	11517	YQDTKGQ	0.329332	-0.01392
SyS767	2340	GCCCAAAAGACTGGGTCGCTGCCTGTGGCACAG	6929	AQKTGSLPVAQ	11518	KTGSLPV	0.329312	-0.0962
SyS768	2341	GCCCAAATTGGCGGGAGTGTGTCTATGGCACAG	6930	AQIARSVSMAQ	11519	IARSVSM	0.32924	0.053318
SyS769	2342	GCCCAACCCAGCAGCAAACTCCCCCTCGCACAG	6931	AQPSSKLPLAQ	11520	PSSKLPL	0.329108	-0.01365
SyS770	2343	GCCCAAATCAACGACCAAAGAATCAGCGCACAG	6932	AQINDQRISAQ	11521	INDQRIS	0.328822	-0.05944
GS396	2344	GCCCAAGGTATTTCTGAGAAGACTTCTGCACAG	6933	AQGISEKTSAQ	11522	GISEKTS	0.328727	-0.03473
GS397	2345	GCCCAAACTAGTGCTTATACTTCGGTGGCACAG	6934	AQTSAYTSVAQ	11523	TSAYTSV	0.328529	-0.09069

도면33bo

SyS771	2346	GCCCAAGGCACCCTCCACAGCAGCGCCGCACAG	6935	AQGTLHSSAAQ	11524	GTLHSSA	0.328517	0.041441
SyS772	2347	GCCCAAGCCCCCAGAGACGCCGCCAGCGCACAG	6936	AQAPRDAASAQ	11525	APRDAAS	0.328496	-0.12465
GS398	2348	GCCCAAAATAATACTGCTATGAGTCTTGCACAG	6937	AQNNTAMSLAQ	11526	NNTAMSL	0.328406	-0.11076
SyS774	2349	GCCCAAATCCTCAGAGTCGCCGACGCCGCACAG	6938	AQILRVADAAQ	11527	ILRVADA	0.328209	0.007753
SyS775	2350	GCCCAAGCCAGCGTGCCGGCGCCAGCGCACAG	6939	AQASVAGASAQ	11528	ASVAGAS	0.328202	-0.18527
SyS776	2351	GCCCAAAGCGTCCTCAACGGCAGCAAAGCACAG	6940	AQSVLNGSKAQ	11529	SVLNGSK	0.328132	0.135186
SyS777	2352	GCCCAAATTTATCAGACGGCTTCTGCGGCACAG	6941	AQIYQTASAAQ	11530	IYQTASA	0.328046	0.09508
SyS778	2353	GCCCAAACCAGCGAAAGAACCCAATTCGCACAG	6942	AQTSERTQFAQ	11531	TSERTQF	0.327984	0.021394
SyS780	2354	GCCCAAAGCACCGTCGCCCTCACCAGCGCACAG	6943	AQSTVALTSAQ	11532	STVALTS	0.327951	0.008571
SyP45	2355	GCCCAAGGGAATACGGTGATTAATGCGGCACAG	6944	AQGNTVINAAQ	11533	GNTVINA	0.32791	-0.03915
SyS781	2356	GCCCAACCCCTCGGCAGCATCGTCACCGCACAG	6945	AQPLGSIVTAQ	11534	PLGSIVT	0.327886	-0.17799
GS399	2357	GCCCAACTCAGAATGAGCGACAGCTTCGCACAG	6946	AQLRMSDSFAQ	11535	LRMSDSF	0.327847	-0.16304
GS400	2358	GCCCAAACCAGCGAAAGCGGCACCCTCGCACAG	6947	AQTSESGTLAQ	11536	TSESGTL	0.327847	-0.16304
SyS782	2359	GCCCAAGAGGCGACGCGGCCTGTTCGGGCACAG	6948	AQEATRPVRAQ	11537	EATRPVR	0.327835	-0.14041
SyS783	2360	GCCCAAAATAAGCAGTTTTTGGCTGATGCACAG	6949	AQNKQFLADAQ	11538	NKQFLAD	0.327749	-0.0825
SyS784	2361	GCCCAACTCACCATCAGACAACGTCGCACAG	6950	AQLTIRDNVAQ	11539	LTIRDNV	0.327594	-0.05797
SyS785	2362	GCCCAAGTTGGGTCTGGGCTTGCTAAGGCACAG	6951	AQVGSGLAKAQ	11540	VGSGLAK	0.327594	-0.13314
GS401	2363	GCCCAACAAAACGCCACCAACCTCATGGCACAG	6952	AQQNATNLMAQ	11541	QNATNLM	0.327526	-0.04297
GS402	2364	GCCCAATCTATGTATGCTGGGCATGAGGCACAG	6953	AQSMYAGHEAQ	11542	SMYAGHE	0.327425	-0.18637
SyS786	2365	GCCCAAATGGTCAACAGCGAAAAAGCCGCACAG	6954	AQMVNSEKAAQ	11543	MVNSEKA	0.327321	0.005673
GP109	2366	GCCCAACGTATGAGTATGCGGTCTGATGCACAG	6955	AQRMSMRSDAQ	11544	RMSMRSD	0.327321	-0.07169
SyS787	2367	GCCCAAAGCAGCAGCGGCCTCAACAAAGCACAG	6956	AQSSSGLNKAQ	11545	SSSGLNK	0.327268	0.120372
SyS788	2368	GCCCAACAAAGCAGCGTCCTCACCCCCGCACAG	6957	AQQSSVLTPAQ	11546	QSSVLTP	0.327119	0.083873
SyS790	2369	GCCCAAACTCCTAATTTGGAGACTAGTGCACAG	6958	AQTPNLETSAQ	11547	TPNLETS	0.326877	-0.12871
GS406	2370	GCCCAAATGCGTGGTACTCTTTCGATGGCACAG	6959	AQMRGTLSMAQ	11548	MRGTLSM	0.326812	-0.15383
SyS791	2371	GCCCAAGATCATGGTGCTAGTCTTCCTGCACAG	6960	AQDHGASLPAQ	11549	DHGASLP	0.326678	-0.18648
SyS792	2372	GCCCAATCTCATTTGGCGACGCCGAAGGCACAG	6961	AQSHLATPKAQ	11550	SHLATPK	0.326626	-0.14162
SyS793	2373	GCCCAATCTGATGCGTCGCATCGGCAGGCACAG	6962	AQSDASHRQAQ	11551	SDASHRQ	0.326591	-0.09677
SyS794	2374	GCCCAAACCGGCACCGAAAGACTCAGCGCACAG	6963	AQTGTERLSAQ	11552	TGTERLS	0.326591	-0.09677
SyS795	2375	GCCCAAGCCGTCGGCCACGTCGGCCCCGCACAG	6964	AQAVGHVGPAQ	11553	AVGHVGP	0.326533	-0.06025
SyS796	2376	GCCCAACAAAGCCAACAAGGCGTCAAAGCACAG	6965	AQQSQQGVKAQ	11554	QSQQGVK	0.326127	0.155451
SyS798	2377	GCCCAAAATCTTACGATTAGTAATCGGGCACAG	6966	AQNLTISNRAQ	11555	NLTISNR	0.325983	-0.18861

도면33bp

SyS799	2378	GCCCAAGTCAGCAGCGGCTACGAAACCGCACAG	6967	AQVSSGVETAQ	11556	VSSGYET	0.325948	-0.01693
SyS800	2379	GCCCAATCGATTTCTCCTCCTCGTACGGCACAG	6968	AQSISPPRTIAQ	11557	SISPPRT	0.325816	-0.0841
SyS801	2380	GCCCAACCCTACAACCAAAGCCCCAGCGCACAG	6969	AQPYNQSPSAQ	11558	PYNQSPS	0.325728	-0.10729
GS411	2381	GCCCAAACGATGTCGTATAATACTAATGCACAG	6970	AQTMSYNTNAQ	11559	TMSYNTN	0.325719	-0.16035
GS412	2382	GCCCAAGGCGCCTACAACACCGTCAGCGCACAG	6971	AQGAYNTVSAQ	11560	GAYNTVS	0.32537	-0.10423
GS413	2383	GCCCAATCGAAGGTTACGCCTCCTCTGGCACAG	6972	AQSKVTPPLAQ	11561	SKVTPPL	0.325307	-0.111
SyS803	2384	GCCCAAAGATTCAGAGAAAACGACCACGCACAG	6973	AQRFRENDHAQ	11562	RFRENDH	0.325231	0.023208
SyS804	2385	GCCCAATTGGATACTGGGCAGCCGGACGGCACAG	6974	AQLDTGQPTAQ	11563	LDTGQPT	0.325094	-0.12829
GS414	2386	GCCCAACTTCCGTCGACTCCGCAGAATGCACAG	6975	AQLPSTPQNAQ	11564	LPSTPQN	0.325044	-0.06588
SyS805	2387	GCCCAAACCCTCAGCTACGTCACCAGCGCACAG	6976	AQTLSYVTSAQ	11565	TLSYVTS	0.324951	-0.18042
SyS806	2388	GCCCAAAGCACCACCGTCCTCCCCGTCGCACAG	6977	AQSTTVLPVAQ	11566	STTVLPV	0.324892	-0.0659
SyS807	2389	GCCCAAATGACGCATACGCTTTTGAGTGCACAG	6978	AQMTHTLLSAQ	11567	MTHTLLS	0.324713	-0.08142
GS415	2390	GCCCAAAGCACCTACAACAAAACCTTCGCACAG	6979	AQSTYNKTFAQ	11568	STYNKTF	0.324696	-0.13571
GS416	2391	GCCCAAGCGACGTCGAGTCATACGCTGGCACAG	6980	AQATSSHTLAQ	11569	ATSSHTL	0.324696	-0.13571
SyS808	2392	GCCCAAAGACTCAACGGCACCGAACCCGCACAG	6981	AQRLNGTEPAQ	11570	RLNGTEP	0.32462	0.318751
SS55	2393	GCCCAACAAGCCAACACCCCCACCAAAGCACAG	6982	AQQANTPTKAQ	11571	QANTPTK	0.324608	-0.31402
SyS809	2394	GCCCAAAGCGCCGTCATCAACAGCAGCGCACAG	6983	AQSAVINSSAQ	11572	SAVINSS	0.324458	0.174798
SyS810	2395	GCCCAAAACCACGGCAACGAAGTCAAAGCACAG	6984	AQNHGNEVKAQ	11573	NHGNEVK	0.324286	0.277768
GS417	2396	GCCCAAAAGCATCTGTCGCATGATCCGGCACAG	6985	AQKHLSHDPAQ	11574	KHLSHDP	0.324246	-0.0337
GP110	2397	GCCCAATTGGGGTCGGGTAGGATGGCTGCACAG	6986	AQLGSGRMAAQ	11575	LGSGRMA	0.324054	0.229744
GS418	2398	GCCCAAAGCAACCAAATCACCATCGTCGCACAG	6987	AQSNQITIVAQ	11576	SNQITIV	0.324029	-0.0065
SyS811	2399	GCCCAAGGTGGTAGGGGTGTGGGTATGGCACAG	6988	AQGGRGVGMAQ	11577	GGRGVGM	0.323942	-0.12991
SyS812	2400	GCCCAATTCGTCACCGAAAGCAAAAGCGCACAG	6989	AQFVTESKSAQ	11578	FVTESKS	0.323852	-0.0172
SyS813	2401	GCCCAAAACAGCGTCCACAACGACCTCGCACAG	6990	AQNSVHNDLAQ	11579	NSVHNDL	0.323841	-0.12222
SyS814	2402	GCCCAAAGCCCCCAACAAAGCAGATACGCACAG	6991	AQSPQQSRYAQ	11580	SPQQSRY	0.323644	-0.10768
SyS815	2403	GCCCAAACTCAGCCTAATCATGATTCTGCACAG	6992	AQTQPNHDSAQ	11581	TQPNHDS	0.323393	-0.13686
SyS816	2404	GCCCAAACGAGGCTGAATGAGGTGACTGCACAG	6993	AQTRLNEVTAQ	11582	TRLNEVT	0.323308	0.334916
GP111	2405	GCCCAAACGGCGCAGCGTACTAATGTTGCACAG	6994	AQTAQRTNVAQ	11583	TAQRTNV	0.323198	-0.07405
GS419	2406	GCCCAACCCGGCAGAAGCCCCACCACCGCACAG	6995	AQPGRSPTTAQ	11584	PGRSPTT	0.322786	0.116763
SyS817	2407	GCCCAAGCCTACAGCGTCGTCAGAGGCGCACAG	6996	AQAYSVVRGAQ	11585	AYSVVRG	0.322605	-0.20462
SyS819	2408	GCCCAAGTTGGTCCGGTGCTTTCTAGGGCACAG	6997	AQVGPVLSRAQ	11586	VGPVLSR	0.322462	-0.09823
GS420	2409	GCCCAAACCAAAATGGGCACCCCCAACGCACAG	6998	AQTKMGTPNAQ	11587	TKMGTPN	0.322339	-0.18099

도면33bq

SyS820	2410	GCCCAAACCACCCCCAACCTCAACCCCGCACAG	6999	AQTTPNLNPAQ	11588	TTPNLNP	0.322176	0.074234
SyS821	2411	GCCCAAACCAGCGGCACCGAACGGCATCGCACAG	7000	AQTSGTDGIAQ	11589	TSGTDGI	0.321888	0.01477
SyS822	2412	GCCCAACCGATGCCTAATATGCCGTCGGCACAG	7001	AQPMPNMPSAQ	11590	PMPNMPS	0.321861	0.022044
SyS823	2413	GCCCAAGCCGACGCCCTCAGCAACAGAGCACAG	7002	AQADALSNRAQ	11591	ADALSNR	0.321783	0.322733
SyS824	2414	GCCCAACTCCAAACCAGCAGCCACACCGCACAG	7003	AQLQTSSHTAQ	11592	LQTSSHT	0.321651	0.18026
SyS825	2415	GCCCAAACCAGCATGCAAGGCGTCTACGCACAG	7004	AQTSMQGVYAQ	11593	TSMQGVY	0.321563	-0.10563
SyS826	2416	GCCCAACAGACTACTGTTTTGAATAAGGCACAG	7005	AQQTTVLNKAQ	11594	QTTVLNK	0.321543	-0.16225
SyS827	2417	GCCCAAATCATCCCCGTCAACAGCACCGCACAG	7006	AQIIPVNSTAQ	11595	IIPVNST	0.321508	0.144707
GS422	2418	GCCCAAATTGCTACTGTTACTTCTAGTGCACAG	7007	AQIATVTSSAQ	11596	IATVTSS	0.321299	-0.05443
GS423	2419	GCCCAATTGGAGACGCCGGGTCGTATGGCACAG	7008	AQLETPGRMAQ	11597	LETPGRM	0.320829	-0.09575
GS424	2420	GCCCAAATCGCCACCAGCGTCGGCAGCGCACAG	7009	AQIATSVGSAQ	11598	IATSVGS	0.320659	-0.18547
SyS829	2421	GCCCAAGTCAGAGAACACGAAGCCCTCGCACAG	7010	AQVREHEALAQ	11599	VREHEAL	0.320474	-0.00948
SyS830	2422	GCCCAACCCCTCACCAACGTCCAAGGCGCACAG	7011	AQPLTNVQGAQ	11600	PLTNVQG	0.320474	-0.0313
SyS831	2423	GCCCAACGTGATATGGTGCAGACTATGGCACAG	7012	AQRDMVQTMAQ	11601	RDMVQTM	0.320474	-0.04585
SyS832	2424	GCCCAAAGACTCGGCTTCGCCACCAACGCACAG	7013	AQRLGFATNAQ	11602	RLGFATN	0.320474	-0.11859
SyS833	2425	GCCCAAATGTCTCAGGTGACGACTGAGGCACAG	7014	AQMSQVTTEAQ	11603	MSQVTTE	0.320474	-0.13314
SyS834	2426	GCCCAAAGTGTGCTTCCGAATGCTATTGCACAG	7015	AQSVLPNAIAQ	11604	SVLPNAI	0.320474	-0.16223
GS425	2427	GCCCAAAAATTCAGCCCCACCCTCGCCGCACAG	7016	AQKFSPTLAAQ	11605	KFSPTLA	0.320006	-0.04848
SyS835	2428	GCCCAAAACATGGGCAACATGGTCCTCGCACAG	7017	AQNIGNMVLAQ	11606	NIGNMVL	0.319937	-0.23296
SyP46	2429	GCCCAAAGTCTTCTTACTGTTTTGAGTGCACAG	7018	AQSLLTVLSAQ	11607	SLLTVLS	0.319922	-0.044
SyS836	2430	GCCCAAAACAGCAACCCCAGCATGCTCGCACAG	7019	AQNSNPSMLAQ	11608	NSNPSML	0.319815	0.040229
GS427	2431	GCCCAAATTACTGCGGCTGTGCGTGATGCACAG	7020	AQITAAVRDAQ	11609	ITAAVRD	0.319761	-0.17672
SyS837	2432	GCCCAAGCCTACACCAGCAACGACAGAGCACAG	7021	AQAYTSNDRAQ	11610	AYTSNDR	0.319729	0.012799
SyS838	2433	GCCCAAAACAGCGTCGGCAGCATGAAAGCACAG	7022	AQNSVGSMKAQ	11611	NSVGSMK	0.319621	0.189219
SyS839	2434	GCCCAAAGACTCGACACCACCTGGGTCGCACAG	7023	AQRLDTTWVAQ	11612	RLDTTWV	0.319493	-0.0907
SyS840	2435	GCCCAAATTGCTGAGGCGGGGGGTCGTGCACAG	7024	AQIAEAGGRAQ	11613	IAEAGGR	0.319466	-0.09798
SyS841	2436	GCCCAAAGCAAAACCAACCTCCAACTCGCACAG	7025	AQSKTNLQLAQ	11614	SKTNLQL	0.319422	0.140853
SyS842	2437	GCCCAATTTTCGAAGGATGATGCTGTTGCACAG	7026	AQFSKDDAVAQ	11615	FSKDDAV	0.31934	-0.12707
SyS843	2438	GCCCAACTCACCAGCCACAGCCTCACCGCACAG	7027	AQLTSHSLTAQ	11616	LTSHSLT	0.319284	0.082661
GS428	2439	GCCCAACACGTCCAACTCCAATACCCCGCACAG	7028	AQHVQLQYPAQ	11617	HVQLQYP	0.319263	-0.16753
SyS844	2440	GCCCAAAACCACAACCAACCCAGCGCCGCACAG	7029	AQNHNQPSAAQ	11618	NHNQPSA	0.319177	-0.15617
SyS845	2441	GCCCAAACTGAGGGTGCGCGGAGTTTGGCACAG	7030	AQTEGARSLAQ	11619	TEGARSL	0.319062	-0.05481

도면33br

SyS846	2442	GCCCAAAACCAAAGCGACAGCAAAGTCGCACAG	7031	AQNQSDSKVAQ	11620	NQSDSKV	0.319021	0.002646
SyS847	2443	GCCCAAGTGAGTCTTCCGCTGGCTCCGGCACAG	7032	AQVSLPLAPAQ	11621	VSLPLAP	0.319021	-0.17799
GS429	2444	GCCCAAAACAACACCAACCTCAGCAGAGCACAG	7033	AQNNTNLSRAQ	11622	NNTNLSR	0.318597	0.099602
GP113	2445	GCCCAATATTCGAATAGTAATAATCATGCACAG	7034	AQYSNSNNHAQ	11623	YSNSNNH	0.31847	-0.07259
SyS848	2446	GCCCAAGGCCTCGAAACCAGACTCCACGCACAG	7035	AQGLETRLHAQ	11624	GLETRLH	0.318311	-0.01832
SyS849	2447	GCCCAACTGACTACTACTGAGTCTAAGGCACAG	7036	AQLTTTESKAQ	11625	LTTTESK	0.318126	-0.13556
SyS850	2448	GCCCAAATGGGCGCCAGAATGCCCCTCGCACAG	7037	AQMGARMPLAQ	11626	MGARMPL	0.317628	0.100846
SyS851	2449	GCCCAAAGTCATGATCATATGCTTATTGCACAG	7038	AQSHDHMLIAQ	11627	SHDHMLI	0.317559	-0.1792
SyS852	2450	GCCCAACGTACTGAGGGTTCGGATAATGCACAG	7039	AQRTEGSDNAQ	11628	RTEGSDN	0.317519	-0.08748
SyS853	2451	GCCCAAAATTTTCAGCGTGATGGGCCGGCACAG	7040	AQNFQRDGPAQ	11629	NFQRDGP	0.317429	-0.00904
SyS854	2452	GCCCAACTTTCGAATATTAATCCGCATGCACAG	7041	AQLSNINPHAQ	11630	LSNINPH	0.317372	-0.0216
SyS855	2453	GCCCAAAGCAGCAACCACACCAGCAGAGCACAG	7042	AQSSNHTSRAQ	11631	SSNHTSR	0.317335	0.288709
SyS856	2454	GCCCAAATGCACGTCAACGCCAGCCCCGCACAG	7043	AQMHVNASPAQ	11632	MHVNASP	0.317257	0.128729
SyS857	2455	GCCCAATGGGATTCGTTGGCTGCGCCGGCACAG	7044	AQWDSLAAPAQ	11633	WDSLAAP	0.317054	-0.1295
SyS858	2456	GCCCAACTGGATGGTGCGCATAATGCGGCACAG	7045	AQLDGAHNAAQ	11634	LDGAHNA	0.316943	-0.13677
GS436	2457	GCCCAATCGATTAGGAGTCCGCCTCCTGCACAG	7046	AQSIRSPPPAQ	11635	SIRSPPP	0.31688	-0.15407
GS437	2458	GCCCAAAATGGGACGCTGAAGGGGTTGGCACAG	7047	AQNGTLKGLAQ	11636	NGTLKGL	0.316732	-0.08754
SyS859	2459	GCCCAATTTTATCAGGAGCAGTCTTTGGCACAG	7048	AQFYQEQSLAQ	11637	FYQEQSL	0.316697	-0.15132
SyS860	2460	GCCCAATACGACCAAAAAAGCCTCGCCGCACAG	7049	AQYDQKSLAAQ	11638	YDQKSLA	0.316591	-0.02956
GP114	2461	GCCCAACTGTCGACGAATCGTACTTTTGCACAG	7050	AQLSTNRTFAQ	11639	LSTNRTF	0.31655	-0.07398
GS439	2462	GCCCAAAAACAAACCCAAGACAGCAGCGCACAG	7051	AQKQTQDSSAQ	11640	KQTQDSS	0.316176	-0.04007
GS440	2463	GCCCAATATGAGCGGGGGCCTCAGATGGCACAG	7052	AQYERGPQMAQ	11641	YERGPQM	0.315854	-0.17291
SyS862	2464	GCCCAAACCCACGCCAACAGCGTCAGAGCACAG	7053	AQTHANSVRAQ	11642	THANSVR	0.315781	-0.07488
GS441	2465	GCCCAAAGTATGAATACTAATGCTTCTGCACAG	7054	AQSMNTNASAQ	11643	SMNTNAS	0.315733	-0.12336
SyS863	2466	GCCCAACTTGATAATGAGAAGGGAGAGGGCACAG	7055	AQLDNEKGRAQ	11644	LDNEKGR	0.315543	0.058188
GS442	2467	GCCCAACTCGGCCAACTCCTCCAAAGCGCACAG	7056	AQLGQLLQSAQ	11645	LGQLLQS	0.315509	-0.16214
SyS864	2468	GCCCAAATGCGGATGCCTGTTAATATGGCACAG	7057	AQMRMPVNMAQ	11646	MRMPVNM	0.315482	-0.20224
GS443	2469	GCCCAAGGCACCAGCAACCTCCCCAGCGCACAG	7058	AQGTSNLPSAQ	11647	GTSNLPS	0.314909	-0.13702
GS444	2470	GCCCAAGAGGGGGAGATGAAGTCTCCGGCACAG	7059	AQEGEMKSPAQ	11648	EGEMKSP	0.31482	-0.1646
SyS865	2471	GCCCAACAGCTGGGGCATGATAATCGGGCACAG	7060	AQQLGHDNRAQ	11649	QLGHDNR	0.314814	-0.11961
SyS866	2472	GCCCAACTGGATGATTCTGCGGGGAGGGCACAG	7061	AQLDDSAGRAQ	11650	LDDSAGR	0.314701	-0.11941
SyS867	2473	GCCCAAACTGGTGCTGGTAATGGGCGGGCACAG	7062	AQTGAGNGRAQ	11651	TGAGNGR	0.314656	-0.01667

도면33bs

SyS868	2474	GCCCAAAACACCGGCGCCGCCATGATGGCACAG	7063	AQNTGAAMMAQ	11652	NTGAAMM	0.314631	0.055763
GS446	2475	GCCCAAATGGGGGCGAATACGTCTGTTGCACAG	7064	AQMGANTSVAQ	11653	MGANTSV	0.314385	-0.08188
SyS869	2476	GCCCAACCCAGCACCCACGGCGGCAGCCGCACAG	7065	AQPSTHGGSAQ	11654	PSTHGGS	0.314357	-0.1889
SyS870	2477	GCCCAAATGCCTCAGTCGCAGCCGAATGCACAG	7066	AQMPQSQPNAQ	11655	MPQSQPN	0.31424	0.015982
SyS871	2478	GCCCAATCTACTCAGGCTAGGCTGACGGCACAG	7067	AQSTQARLTAQ	11656	STQARLT	0.314143	-0.15374
SyS872	2479	GCCCAAAGCGAATACCTCCTCAACCCCGCACAG	7068	AQSEYLLNPAQ	11657	SEYLLNP	0.314087	-0.19618
SyS873	2480	GCCCAAACTACTGGTCCTGGGCTGAATGCACAG	7069	AQTTGPGLNAQ	11658	TTGPGLN	0.314048	0.103567
GS449	2481	GCCCAACCTGGGAGTTCTGTGTCTTATGCACAG	7070	AQPGSSVSYAQ	11659	PGSSVSY	0.313645	-0.14868
GS450	2482	GCCCAATATTTTGGGTCGGCGCAGGAGGCACAG	7071	AQYFGSAQEAQ	11660	YFGSAQE	0.313586	-0.17958
GS451	2483	GCCCAAGCCGTCATCAACAACGCCACCGCACAG	7072	AQAVINNATAQ	11661	AVINNAT	0.313428	-0.0842
SyS874	2484	GCCCAAGTCGCCATGCAAGACAAAAAAGCACAG	7073	AQVAMQDKKAQ	11662	VAMQDKK	0.313354	-0.14041
SyS875	2485	GCCCAAGCGGATAATATTAAGGCACAG	7074	AQADNMNIKAQ	11663	ADNMNIK	0.313295	-0.07009
GP115	2486	GCCCAAGGGCGGGCGACGACTGATTCTGCACAG	7075	AQGRATTDSAQ	11664	GRATTDS	0.313279	-0.07065
SyS876	2487	GCCCAAATGAACCTCCACCTCAAAGGCGCACAG	7076	AQMNLHLKGAQ	11665	MNLHLKG	0.313136	0.083677
TS152	2488	GCCCAATCGAATCAGATTCGTGATTCGGCACAG	7077	AQSNQIRDSAQ	11666	SNQIRDS	0.313116	-0.32301
SyS877	2489	GCCCAAGTTAATGGTCAGAGTACGCCTGCACAG	7078	AQVNGQSTPAQ	11667	VNGQSTP	0.313037	-0.00962
SyS878	2490	GCCCAAATTCTTCCTCAGTTGAATTCGGCACAG	7079	AQILPQLNSAQ	11668	ILPQLNS	0.312954	-0.03559
SyS879	2491	GCCCAAGTCCAAGACAGCCTCCACTTCGCACAG	7080	AQVQDSLHFAQ	11669	VQDSLHF	0.312874	0.083873
SyS880	2492	GCCCAAGACGTCAGCAACAGAAACAACGCACAG	7081	AQDVSNRNNAQ	11670	DVSNRNN	0.312493	-0.15411
GP116	2493	GCCCAAGATGCTAGTCATGGTTCTAGTGCACAG	7082	AQDASHGSSAQ	11671	DASHGSS	0.312276	-0.07391
SyS881	2494	GCCCAACGGGCGAGTGCTCATCCGCCGGCACAG	7083	AQRASAHPPAQ	11672	RASAHPP	0.312043	-0.11646
SyS882	2495	GCCCAACCCAGCCTCAGAGCCCTCGACGCACAG	7084	AQPSLRALDAQ	11673	PSLRALD	0.311957	-0.17678
SyS883	2496	GCCCAAGATAAGACGCCTCCGGTTGCTGCACAG	7085	AQDKTPPVAAQ	11674	DKTPPVA	0.311957	-0.17678
SyS884	2497	GCCCAACTTAATGATGTTACGACTAGGGCACAG	7086	AQLNDVTTRAQ	11675	LNDVTTR	0.311619	-0.20586
SyS885	2498	GCCCAAGGCGCCAGCAACGCCCAAGCCGCACAG	7087	AQGASNAQAAQ	11676	GASNAQA	0.311537	0.290108
SyS886	2499	GCCCAAAATGGGTCGCGGGATGCGTTGGCACAG	7088	AQNGSRDALAQ	11677	NGSRDAL	0.311371	0.125773
GS452	2500	GCCCAATACGGCGTCGAAAGAATGAGCGCACAG	7089	AQYGVERMSAQ	11678	YGVERMS	0.311356	-0.04604
GS453	2501	GCCCAAGCCAAAGTCGCCAGCAGCTTCGCACAG	7090	AQAKVASSFAQ	11679	AKVASSF	0.311335	-0.04098
SyS887	2502	GCCCAACATAAGCAGATTCTGTTGGATGCACAG	7091	AQHKQILLDAQ	11680	HKQILLD	0.311304	-0.10069
SyS888	2503	GCCCAAGACAGAGCCAACGACAGAATCGCACAG	7092	AQDRANDRIAQ	11681	DRANDRI	0.311232	0.08751
GS454	2504	GCCCAAAAAATGAGCACCACCATGCTCGCACAG	7093	AQKMSTTMLAQ	11682	KMSTTML	0.31117	-0.1003
SyS889	2505	GCCCAAGGCGGCGAAAACGGGCGTCATCGCACAG	7094	AQGGENGVIAQ	11683	GGENGVI	0.310602	-0.15011

도면33bt

SyS890	2506	GCCCAAGTTACGCAGACTCTGATTTCGGCACAG	7095	AQVTQTLISAQ	11684	VTQTLIS	0.310505	-0.17799
SyS891	2507	GCCCAACTGTATACTAAGGCTCTGATTGCACAG	7096	AQLYTKALIAQ	11685	LYTKALI	0.310465	-0.10161
GS455	2508	GCCCAAACCCTCCCCGGCCACAACAGAGCACAG	7097	AQTLPGHNRAQ	11686	TLPGHNR	0.310262	-0.1756
SyS892	2509	GCCCAAAGTAAGTCTGGGCTTGTGGGTGCACAG	7098	AQSKSGLVGAQ	11687	SKSGLVG	0.310236	0.168736
GS456	2510	GCCCAACTTACTTTGAAGGATACTAGTGCACAG	7099	AQLTLKDTSAQ	11688	LTLKDTS	0.310122	-0.18278
SyS893	2511	GCCCAATGGAACGGCACCGGCGTCAGCGCACAG	7100	AQWNGTGVSAQ	11689	WNGTGVS	0.310096	-0.0119
SS58	2512	GCCCAACTCGTCCAAAACAACACCATGGCACAG	7101	AQLVQNNTMAQ	11690	LVQNNTM	0.310057	-0.30263
SyS894	2513	GCCCAACTCGCCGACAGAGGCAGCGCCGCACAG	7102	AQLADRGSAAQ	11691	LADRGSA	0.310018	-0.08828
GS459	2514	GCCCAATTGGCTTCGACGGGTGCGAATGCACAG	7103	AQLASTGANAQ	11692	LASTGAN	0.309525	-0.13094
GS460	2515	GCCCAACTTGGGCGGAATGATACTCTTGCACAG	7104	AQLGRNDTLAQ	11693	LGRNDTL	0.3095	-0.05896
GS461	2516	GCCCAAAGAAGCACCAACGGCGAAGCCGCACAG	7105	AQRSTNGFAAQ	11694	RSTNGFA	0.309188	-0.01679
GS462	2517	GCCCAAGGCGCCACCTACCAAAGAACCGCACAG	7106	AQGATYQRTAQ	11695	GATYQRT	0.309152	-0.12526
SyS895	2518	GCCCAAGGCAAAAGCCAACTCCTCATGGCACAG	7107	AQGKSQLLMAQ	11696	GKSQLLM	0.309137	-0.07057
SyS896	2519	GCCCAAAATACTGCTACGTTTTCTTCGGCACAG	7108	AQNTATFSSAQ	11697	NTATFSS	0.309129	-0.04787
GS463	2520	GCCCAATATTCGACGACGATTTCTCCGGCACAG	7109	AQYSTTISPAQ	11698	YSTTISP	0.30904	-0.07316
SyS897	2521	GCCCAACCCAGACACAGCGTCCAAGACGCACAG	7110	AQPRHSVQDAQ	11699	PRHSVQD	0.308961	-0.20314
GP117	2522	GCCCAAAATAATAATACGAAGATGAATGCACAG	7111	AQNNNTKMNAQ	11700	NNNTKMN	0.30893	-0.03193
GS464	2523	GCCCAACTCACCGGCCACCACACCAAAGCACAG	7112	AQLTGHHTKAQ	11701	LTGHHTK	0.308925	-0.15855
SyS899	2524	GCCCAAAACGTCAGCAGCGGCCAAAGAGCACAG	7113	AQNVSSGQRAQ	11702	NVSSGQR	0.308694	0.425634
SS60	2525	GCCCAAAGCCTCCAAGACGCCAGACTCGCACAG	7114	AQSLQDARLAQ	11703	SLQDARL	0.308634	-0.29859
SyS900	2526	GCCCAACTTAATAGGGATGGGTCGGTGGCACAG	7115	AQLNRDGSVAQ	11704	LNRDGSV	0.308572	-0.18648
SyS901	2527	GCCCAAAACAGCACCGAAAACAGCACCGCACAG	7116	AQNSTENSTAQ	11705	NSTENST	0.308538	-0.07217
SyS903	2528	GCCCAAAGCCTCGTCGCCCAACCCGTCGCACAG	7117	AQSLVAQPVAQ	11706	SLVAQPV	0.308428	-0.08008
SyS904	2529	GCCCAACATGCTGCTACGGTGAGTCATGCACAG	7118	AQHAATVSHAQ	11707	HAATVSH	0.308062	0.032955
SyS905	2530	GCCCAAAATGTGTCTGGTGCGCGTTTGGCACAG	7119	AQNVSGARLAQ	11708	NVSGARL	0.308062	-0.04948
GS466	2531	GCCCAAAGAGCCGACAAATTCGACTACGCACAG	7120	AQRADKFDYAQ	11709	RADKFDY	0.308023	-0.02692
SyS906	2532	GCCCAAAGCCAACCCGACGTCACCTACGCACAG	7121	AQSQPDVTYAQ	11710	SQPDVTY	0.307992	-0.127
SyS907	2533	GCCCAAGTTCTTACTCAGCAGACTCATGCACAG	7122	AQVLTQQTHAQ	11711	VLTQQTH	0.307679	0.0148
SyS908	2534	GCCCAAACCGACAACAGCACCACCAGAGCACAG	7123	AQTDNSTTRAQ	11712	TDNSTTR	0.307679	0.131421
SyS909	2535	GCCCAATATAATACTCGGTATGATGCTGCACAG	7124	AQYNTRYDAAQ	11713	YNTRYDA	0.307506	-0.20103
SyS910	2536	GCCCAAAGCGCCAACGACGCCAGAGTGGCACAG	7125	AQSANDARVAQ	11714	SANDARV	0.307448	-0.03147
SyS911	2537	GCCCAAATCCTCACCCCCGACCTCAGAGCACAG	7126	AQILTPDLRAQ	11715	ILTPDLR	0.307422	-0.08464

도면33bu

SyS912	2538	GCCCAACCTAATGTGGGTGCGAGTTCGGCACAG	7127	AQPNVGASSAQ	11716	PNVGASS	0.307375	-0.17136
SyS914	2539	GCCCAACTCAGCGCCAGCCACACCATCGCACAG	7128	AQLSASHTIAQ	11717	LSASHTI	0.307038	-0.14672
SS61	2540	GCCCAAACCAAAGTCCTCATCGAAAAAGCACAG	7129	AQTKVLIEKAQ	11718	TKVLIEK	0.306967	-0.36752
SyS915	2541	GCCCAAATGAATACTCTTATTCCTGCGGCACAG	7130	AQMNTLIPAAQ	11719	MNTLIPA	0.306966	-0.05601
SyS916	2542	GCCCAATCTTCGAATGTTGTGACTACTGCACAG	7131	AQSSNVVTTAQ	11720	SSNVVTT	0.306697	0.098037
SyS917	2543	GCCCAAATGAACGTCAGACCCACCACCGCACAG	7132	AQMNVRPTTAQ	11721	MNVRPTT	0.306682	0.085085
SyS918	2544	GCCCAAGATACTGGTCTTAATAATAGGGCACAG	7133	AQDTGLNNRAQ	11722	DTGLNNR	0.306651	0.011783
GS467	2545	GCCCAAACCCTCAACAGAGACCACATGGCACAG	7134	AQTLNRDHMAQ	11723	TLNRDHM	0.306373	-0.09048
GS469	2546	GCCCAACTCCTCCTCAGCCACCACGCCGCACAG	7135	AQLLLSHHAAQ	11724	LLLSHHA	0.306247	-0.18099
SyS919	2547	GCCCAAAACCCCGCCATGGCCACCTTCGCACAG	7136	AQNPAMATFAQ	11725	NPAMATF	0.305992	-0.14768
GS470	2548	GCCCAAATTTCTCAGCCGGATTTATGCGGCACAG	7137	AQISQRIYAAQ	11726	ISQRIYA	0.30595	-0.16528
SyS920	2549	GCCCAAACGACTGGGGTTGCTGGTAGTGCACAG	7138	AQTTGVAGSAQ	11727	TTGVAGS	0.305896	0.05663
SyS921	2550	GCCCAATTTGGGACGTTTCCGACGCCTGCACAG	7139	AQFGTFPTPAQ	11728	FGTFPTP	0.305776	-0.10477
SS62	2551	GCCCAAAGAGGCAGCGACTTCGACAGCGCACAG	7140	AQRGSDFDSAQ	11729	RGSDFDS	0.305764	-0.33979
GS472	2552	GCCCAAAGCAAAGCCAGCCTCGACAGCGCACAG	7141	AQSKASLDSAQ	11730	SKASLDS	0.305689	-0.08038
GS473	2553	GCCCAACTTCTTAATAGTCATTCTGCTGCACAG	7142	AQLLNSHSAAQ	11731	LLNSHSA	0.305635	0.015974
GS474	2554	GCCCAAGCTAGTATTCATAAGGATATTGCACAG	7143	AQASIHKDIAQ	11732	ASIHKDI	0.305534	-0.1269
GS475	2555	GCCCAAAGCGACCCCGGCAAATTCATGGCACAG	7144	AQSDPGKFMAQ	11733	SDPGKFM	0.305528	-0.10472
SyS922	2556	GCCCAAGGCACCAGCAGCGCCCAAAGAGCACAG	7145	AQGTSSAQRAQ	11734	GTSSAQR	0.305492	-0.05312
SyS923	2557	GCCCAAAGTACGAATAGTAAGCTGGAGGCACAG	7146	AQSTNSKLEAQ	11735	STNSKLE	0.305492	-0.15496
SyS924	2558	GCCCAAAATTTGCAGACTGTTCCGAATGCACAG	7147	AQNLQTVPNAQ	11736	NLQTVPN	0.305492	-0.15496
GS476	2559	GCCCAAGTCGTCACCCACCTCAACGCCGCACAG	7148	AQVVTHLNAAQ	11737	VVTHLNA	0.305419	-0.13612
SyS925	2560	GCCCAACTCAGCACCAGCAACAACTTCGCACAG	7149	AQLSTSNNFAQ	11738	LSTSNNF	0.305414	0.115059
SyS926	2561	GCCCAAAACAACAGCGGCCACATCAGCGCACAG	7150	AQNNSGHISAQ	11739	NNSGHIS	0.305094	-0.09434
SyS927	2562	GCCCAAGCCTACCAAGTCAACAGCGACGCACAG	7151	AQAYQVNSDAQ	11740	AYQVNSD	0.305066	0.03955
SyS928	2563	GCCCAACAGCAGAATTATTTGAATCATGCACAG	7152	AQQQNYLNHAQ	11741	QQNYLNH	0.304957	-0.16223
GS477	2564	GCCCAATTTGCGACTACGAATACTGGGGCACAG	7153	AQFATTNTGAQ	11742	FATTNTG	0.304891	0.033545
GS478	2565	GCCCAACTTGCGAATAAGATTGCGAATGCACAG	7154	AQLANKIANAQ	11743	LANKIAN	0.304879	-0.01499
GS479	2566	GCCCAACAAAGCTTCCAAAGAAAGTCGCACAG	7155	AQQSFQREVAQ	11744	QSFQREV	0.304879	-0.14689
SyS930	2567	GCCCAACTGCATATTTCGGAGCCGAGGGCACAG	7156	AQLHISEPRAQ	11745	LHISEPR	0.30455	-0.13556
GS481	2568	GCCCAACGTGTGGGTGAGCGGGAGCAGGCACAG	7157	AQRVGEREQAQ	11746	RVGEREQ	0.304522	-0.17829
SyS931	2569	GCCCAAGTTAATATTATTCAGGCGTCGGCACAG	7158	AQVNIIQASAQ	11747	VNIIQAS	0.304499	-0.05678

도면33bv

SyS932	2570	GCCCAAGGCGTCGGCCTCCACAACAAAGCACAG	7159	AQGVGLHNKAQ	11748	GVGLHNK	0.304499	-0.10606
SyS933	2571	GCCCAAAATAATCCTGCGATTCCGATTGCACAG	7160	AQNNPAIPIAQ	11749	NNPAIPI	0.30426	-0.01336
GP118	2572	GCCCAACGGCTGTCGAGTCAGGCTGTGGCACAG	7161	AQRLSSQAVAQ	11750	RLSSQAV	0.304245	-0.07356
SyS934	2573	GCCCAACACAGCAACGAACTCAGACCCGCACAG	7162	AQHSNELRPAQ	11751	HSNELRP	0.304109	0.131628
SyS935	2574	GCCCAAAGCCTCGGCCCCACCACCAACGCACAG	7163	AQSLGPTTNAQ	11752	SLGPTTN	0.304096	-0.09555
TS154	2575	GCCCAAGGTAATCAGACGAATCGTTCGGCACAG	7164	AQGNQTNRSAQ	11753	GNQTNRS	0.303952	-0.06046
SyS936	2576	GCCCAAAGTAATCCGGTGGGTAATCCGGCACAG	7165	AQSNPVGNPAQ	11754	SNPVGNP	0.303849	0.006491
SyS937	2577	GCCCAACAAGTCCCCCCCCCTCGTCCCCGCACAG	7166	AQQVPPLVPAQ	11755	QVPPLVP	0.303762	-0.17678
SyS939	2578	GCCCAACTCAGCACCCCCCCCACCCAAGCACAG	7167	AQLSTPPTQAQ	11756	LSTPPTQ	0.303367	0.011133
SyS940	2579	GCCCAAGTGGGTACGGAGCCGCTTCTGCACAG	7168	AQVGTEPLSAQ	11757	VGTEPLS	0.303367	-0.21072
GS483	2580	GCCCAAAGACCCGACGCCACCAGCCACGCACAG	7169	AQRPDATSHAQ	11758	RPDATSH	0.303361	-0.12139
GS485	2581	GCCCAAGTTGAGAAGCAGATGCTTAATGCACAG	7170	AQVEKQMLNAQ	11759	VEKQMLN	0.303278	-0.10651
SyS941	2582	GCCCAATTCAAAAGCGCCCAAGCCACCGCACAG	7171	AQFKSAQATAQ	11760	FKSAQAT	0.303093	-0.09677
SyS942	2583	GCCCAATGGGCTTTGTCTACGGATGGGGCACAG	7172	AQWALSTDGAQ	11761	WALSTDG	0.302822	-0.19969
SyS943	2584	GCCCAACTTGCTGGTCTGGCTACTAATGCACAG	7173	AQLAGLATNAQ	11762	LAGLATN	0.302566	-0.04978
SyS944	2585	GCCCAAACCCTCACCGCCGGCACCCCCGCACAG	7174	AQTLTAGTPAQ	11763	TLTAGTP	0.302458	0.051682
GS486	2586	GCCCAAATCCCCGTCACCAGCAGAATGGCACAG	7175	AQIPVTSRMAQ	11764	IPVTSRM	0.302322	-0.15669
SyS945	2587	GCCCAAGGGACGGATTATCCTAGGTCTGCACAG	7176	AQGTDYPRSAQ	11765	GTDYPRS	0.302309	-0.17799
SyS946	2588	GCCCAAGTTACGGAGCATAGTAAGTTGGCACAG	7177	AQVTEHSKLAQ	11766	VTEHSKL	0.302301	-0.1054
GS487	2589	GCCCAAAACATGAGCATGCCCGTCAAAGCACAG	7178	AQNMSMPVKAQ	11767	NMSMPVK	0.302291	-0.06614
SyS947	2590	GCCCAAAGCGTCGGCGTCGGCATGAGCGCACAG	7179	AQSVGVGMSAQ	11768	SVGVGMS	0.302147	-0.04842
SyS948	2591	GCCCAACCCAGAACCGACAACGAAGGCGCACAG	7180	AQPRTDNEGAQ	11769	PRTDNEG	0.302129	-0.11889
SyS949	2592	GCCCAATTCAGCAACCCGACAGAACCGCACAG	7181	AQFSNPDRTAQ	11770	FSNPDRT	0.302103	-0.03523
SyS950	2593	GCCCAAATGCACCTCGTCCCCACCACCGCACAG	7182	AQMHLVPTTAQ	11771	MHLVPTT	0.302085	-0.09798
SyS951	2594	GCCCAAAATGCTCCTCCGGTTTCTTCTGCACAG	7183	AQNAPPVSSAQ	11772	NAPPVSS	0.301938	0.008708
SyS952	2595	GCCCAATCGAATTTGCCTACTTTGGCGGCACAG	7184	AQSNLPTLAAQ	11773	SNLPTLA	0.301914	0.035379
GS490	2596	GCCCAAATCATGCAAGGCATGACCACCGCACAG	7185	AQIMQGMTTAQ	11774	IMQGMTT	0.301878	-0.14272
SyS953	2597	GCCCAAAGTCGTGAGACGACGAGTCCTGCACAG	7186	AQSRETTSPAQ	11775	SRETTSP	0.30158	0.041441
SyS954	2598	GCCCAAAACCCCACCAGCTTCAGCACCGCACAG	7187	AQNPTSFSTAQ	11776	NPTSFST	0.30158	-0.17193
SyS955	2599	GCCCAAAATTTGCAGCATGGTTCGACTGCACAG	7188	AQNLQHGSTAQ	11777	NLQHGST	0.301496	0.225756
GS491	2600	GCCCAAAATTTTCATTCTGGTCATACGGCACAG	7189	AQNFHSGHTAQ	11778	NFHSGHT	0.301283	-0.13881
GS492	2601	GCCCAAACTGAGAGTGTGTATGCGAGGGCACAG	7190	AQTESVYARAQ	11779	TESVYAR	0.301236	-0.15383

도면33bw

GS493	2602	GCCCAAACTAAGTCTGAGATTCCTAATGCACAG	7191	AQTKSEIPNAQ	11780	TKSEIPN	0.301236	-0.15383
SyS956	2603	GCCCAAACCAGCCTCGCCGACATGAGAGCACAG	7192	AQTSLADMRAQ	11781	TSLADMR	0.301192	-0.01918
GS494	2604	GCCCAAAGACTCAAAGCCGACATCACCGCACAG	7193	AQRLKADITAQ	11782	RLKADIT	0.301085	-0.08801
SyS957	2605	GCCCAACTGAATATGAATGTTCTGGCTGCACAG	7194	AQLNMNVLAAQ	11783	LNMNVLA	0.301014	-0.03968
GS495	2606	GCCCAAAGCCTCAGACCCATCAGCGTCGCACAG	7195	AQSLRPISVAQ	11784	SLRPISV	0.301004	-0.15945
SyS958	2607	GCCCAACTCAGCGTCCAACTCGTCGAAGCACAG	7196	AQLSVQLVEAQ	11785	LSVQLVE	0.300849	-0.14056
SyS959	2608	GCCCAAAGTTTTGAGGGTGTTCTTCCGGCACAG	7197	AQSFEGVLPAQ	11786	SFEGVLP	0.300847	-0.1792
GS496	2609	GCCCAAATCATCGTCGGCCTCCAACCCGCACAG	7198	AQIIVGLQPAQ	11787	IIVGLQP	0.3008	-0.11578
GS497	2610	GCCCAAGTCAGCAGCTACGAAAGACTCGCACAG	7199	AQVSSYERLAQ	11788	VSSYERL	0.300709	-0.12053
SyS960	2611	GCCCAAAGAACCAACGACGCCATCGTCGCACAG	7200	AQRTNDAIVAQ	11789	RTNDAIV	0.300688	0.340159
GS498	2612	GCCCAATTCAGCGAACACAGAGAACTCGCACAG	7201	AQFSEHRELAQ	11790	FSEHREL	0.300668	-0.16304
GS499	2613	GCCCAAAAAGAAGCCACCGCCAACACCGCACAG	7202	AQKEATANTAQ	11791	KEATANT	0.300598	-0.06336
SyS962	2614	GCCCAACTCAGAGCCAGCATCACCGTCGCACAG	7203	AQLRASITVAQ	11792	LRASITV	0.300214	0.025681
SyS963	2615	GCCCAATGGTTGGGTATTACTGAGGCGGCACAG	7204	AQWLGITEAAQ	11793	WLGITEA	0.300198	-0.07373
SyS964	2616	GCCCAAAGCAGCCAAAAAGCCGCCGAAGCACAG	7205	AQSSQKAAEAQ	11794	SSQKAAE	0.300091	-0.02263
GS501	2617	GCCCAAGGGTCGACTCCTGGTCTTGCTGCACAG	7206	AQGSTPGLAAQ	11795	GSTPGLA	0.299731	-0.12625
SyS965	2618	GCCCAAAAGGGGGAATGCTAATGATCTTGCACAG	7207	AQKGNANDLAQ	11796	KGNANDL	0.299619	-0.12733
SyS966	2619	GCCCAAACCAGCGCCCCCCTCAAACTCGCACAG	7208	AQTSAPLKLAQ	11797	TSAPLKL	0.299556	-0.03494
SyS967	2620	GCCCAACCTGTGCAGACGAATGGGCATGCACAG	7209	AQPVQTNGHAQ	11798	PVQTNGH	0.299313	-0.06587
SyS968	2621	GCCCAAAGGCCGGCTGTGGATTCGGCTGCACAG	7210	AQRPAVDSAAQ	11799	RPAVDSA	0.299287	-0.04179
SyS969	2622	GCCCAAACCACCCTCAGCCAAAACAGAGCACAG	7211	AQTTLSQNRAQ	11800	TTLSQNR	0.299223	-0.05801
SyS970	2623	GCCCAAGTCATGACCGTCGGCAGCCTCGCACAG	7212	AQVMTVGSLAQ	11801	VMTVGSL	0.299001	-0.07033
SyS971	2624	GCCCAAGCCCTCAACAAAGAAAACTGGGCACAG	7213	AQALNKENWAQ	11802	ALNKENW	0.298989	-0.20709
SyS973	2625	GCCCAACATCATCATTTGACGGGGAATGCACAG	7214	AQHHHLTGNAQ	11803	HHHLTGN	0.298821	-0.17259
GS502	2626	GCCCAAGGGATGCGGACTGTGAATATTGCACAG	7215	AQGMRTVNIAQ	11804	GMRTVNI	0.298627	-0.18099
GS503	2627	GCCCAAACTCTGAATAGTTCGGTGGCTGCACAG	7216	AQTLNSSVAAQ	11805	TLNSSVA	0.298611	-0.08717
GS504	2628	GCCCAATCTGCTTCGACGATTCTTGTTGCACAG	7217	AQSASTILVAQ	11806	SASTILV	0.298566	-0.16753
GP119	2629	GCCCAAGAGATGATTAGGCCTCGTGCGGCACAG	7218	AQEMIRPRAAQ	11807	EMIRPRA	0.298415	0.162495
SyS974	2630	GCCCAAATGTCGGCGGCGAGTTATAAGGCACAG	7219	AQMSAASYKAQ	11808	MSAASYK	0.298381	-0.14302
SyS975	2631	GCCCAACATTTTACGACTGGGTCTGTTGCACAG	7220	AQHFTTGSVAQ	11809	HFTTGSV	0.298366	-0.02828
GS505	2632	GCCCAAGCTTCTCATACTATTGGGCTTGCACAG	7221	AQASHTIGLAQ	11810	ASHTIGL	0.298317	-0.10725
GS506	2633	GCCCAAAGTCGGGAGCATCAGCTGTATGCACAG	7222	AQSREHQLYAQ	11811	SREHQLY	0.298183	-0.11266

도면33bx

GS507	2634	GCCCAAGCTGGTACGACGGCTCCGCTTGCACAG	7223	AQAGTTAPLAQ	11812	AGTTAPL	0.298135	-0.06321
GS508	2635	GCCCAAGGCAAAGTCAGCGGCGCCATGGCACAG	7224	AQGKVSGAMAQ	11813	GKVSGAM	0.298131	-0.11524
GS509	2636	GCCCAAAAACTCAGCGGCATGAGCGTCGCACAG	7225	AQKLSGMSVAQ	11814	KLSGMSV	0.297895	-0.15574
GS510	2637	GCCCAAGTCCTCCCCAAAGACGACGCCGCACAG	7226	AQVLPKDDAAQ	11815	VLPKDDA	0.297661	-0.1747
SyS976	2638	GCCCAACTCGCCGGCATCCTCACCACCGCACAG	7227	AQLAGILTTAQ	11816	LAGILTT	0.297605	-0.0739
SyS977	2639	GCCCAAGTCGTCCCCGGCGCCCAAACCGCACAG	7228	AQVVPGAQTAQ	11817	VVPGAQT	0.297436	-0.06047
SyS978	2640	GCCCAAGGTCAGCATTCTTATGCCGCATGCACAG	7229	AQGQHSYAHAQ	11818	GQHSYAH	0.297408	-0.07737
SyS979	2641	GCCCAACATCATCTGAGTACGTCGATTGCACAG	7230	AQHHLSTSIAQ	11819	HHLSTSI	0.297404	-0.03102
SyS980	2642	GCCCAAACCCTCATCCCCCCCAACCCCGCACAG	7231	AQTLIPPNPAQ	11820	TLIPPNP	0.297351	-0.14283
GS511	2643	GCCCAAGAGATGCATAATCCTAGGGCGGCACAG	7232	AQEMHNPRAAQ	11821	EMHNPRA	0.297287	-0.11417
SyS982	2644	GCCCAAATCGAAAACCCCCCCAGAGGCGCACAG	7233	AQIENPPRGAQ	11822	IENPPRG	0.297181	-0.0878
SyS983	2645	GCCCAAGGCCAATTCAGCGACGCCAGAGCACAG	7234	AQGQFSDARAQ	11823	GQFSDAR	0.297111	0.032689
SyS984	2646	GCCCAAGCCGAAGCCAGCGCCAGCAGAGCACAG	7235	AQAEASASRAQ	11824	AEASASR	0.297046	-0.07131
SyS985	2647	GCCCAACTTGTTAAGGGGGATGCGAGGGCACAG	7236	AQLVKGDARAQ	11825	LVKGDAR	0.29699	0.026608
GS512	2648	GCCCAACAGGGTCATACGCATGGGAATGCACAG	7237	AQQGHTHGNAQ	11826	QGHTHGN	0.296975	-0.12903
GS513	2649	GCCCAACAGAAGCCTACGTCTACTTTTGCACAG	7238	AQQKPTSTFAQ	11827	QKPTSTF	0.296937	-0.15288
GS514	2650	GCCCAAAAGCTTGCTGCTTTGGGTGCTGCACAG	7239	AQKLAALGAAQ	11828	KLAALGA	0.296882	-0.17672
SyS986	2651	GCCCAATCGTCTGTGGATCAGATGAAGGCACAG	7240	AQSSVDQMKAQ	11829	SSVDQMK	0.296846	-0.08602
SyS987	2652	GCCCAAGGCATCGTCACCGCCCCCCTCGCACAG	7241	AQGIVTAPLAQ	11830	GIVTAPL	0.296762	-0.16951
GS515	2653	GCCCAACTTTTGAAGATGCCTTCTCCTGCACAG	7242	AQLLKMPSPAQ	11831	LLKMPSP	0.296723	-0.12298
SyS988	2654	GCCCAAAATGTTGCTCATACGGTGCGTGCACAG	7243	AQNVAHTVRAQ	11832	NVAHTVR	0.2967	-0.06524
SyS989	2655	GCCCAACTGATGAGTACGAATGTGAGTGCACAG	7244	AQLMSTNVSAQ	11833	LMSTNVS	0.29667	0.039016
SyS990	2656	GCCCAACTGTCTAATAATAATGCGCTTGCACAG	7245	AQLSNNNALAQ	11834	LSNNNAL	0.296455	-0.22803
SyS991	2657	GCCCAACTCCTCATCGGCCCCACCGGCGCACAG	7246	AQLLIGPTGAQ	11835	LLIGPTG	0.296321	-0.11131
GS517	2658	GCCCAAGTCAGAAACACCATGATCAGCGCACAG	7247	AQVRNTMISAQ	11836	VRNTMIS	0.296311	-0.17201
GS518	2659	GCCCAAGGCGCCACCGGCCACCTCACCGCACAG	7248	AQGATGHLTAQ	11837	GATGHLT	0.296311	-0.17201
GS519	2660	GCCCAAATGACCGTCGGCAACCTCGGCGCACAG	7249	AQMTVGNLGAQ	11838	MTVGNLG	0.29631	-0.06764
SyS992	2661	GCCCAAAGTAATGGTCTGAATGGTTTGGCACAG	7250	AQSNGLNGLAQ	11839	SNGLNGL	0.296065	-0.23419
SyS994	2662	GCCCAACGGAATGAGAATGAGAGTCGTGCACAG	7251	AQRNENESRAQ	11840	RNENESR	0.295831	-0.08635
SyP47	2663	GCCCAAGGGAATGCTCGGGATGCGAGTGCACAG	7252	AQGNARDASAQ	11841	GNARDAS	0.295799	-0.04389
SyS995	2664	GCCCAAATCAGCAAACTCCTCCTCAGCGCACAG	7253	AQISKLLLSAQ	11842	ISKLLLS	0.295612	-0.10947
GS520	2665	GCCCAAAACGACACCACCAACATGAGCGCACAG	7254	AQNDTTNMSAQ	11843	NDTTNMS	0.295587	-0.16718

도면33by

SyS996	2666	GCCCAAGGCCTCGAAGCCAACAAAAGCGCACAG	7255	AQGLEANKSAQ	11844	GLEANKS	0.295578	0.033862
SyS998	2667	GCCCAACATTATAGTACTGTTGGGGTGGCACAG	7256	AQHYSTVGVAQ	11845	HYSTVGV	0.295419	-0.19011
SyS999	2668	GCCCAACCTACGATTTCGGTTCTGCCTGCACAG	7257	AQPTISVLPAQ	11846	PTISVLP	0.295257	-0.21694
SyS1000	2669	GCCCAAGTCCAAACCATCGGCCACGAAGCACAG	7258	AQVQTIGHEAQ	11847	VQTIGHE	0.295085	-0.16397
SyS1001	2670	GCCCAAAAACCCGAAACCGCCAGCGGACGCACAG	7259	AQKPETASDAQ	11848	KPETASD	0.294946	-0.1036
SS64	2671	GCCCAAACCAACACCCCCACCAGCAGAGCACAG	7260	AQTNTPTSRAQ	11849	TNTPTSR	0.294926	-0.28124
SyS1002	2672	GCCCAAAGTTTGACGCTTAGTTCGCATGCACAG	7261	AQSLTLSSHAQ	11850	SLTLSSH	0.294898	-0.14526
GP120	2673	GCCCAACATTATCATAGTATTCAGGCTGCACAG	7262	AQHYHSIQAAQ	11851	HYHSIQA	0.294855	-0.07232
SyS1003	2674	GCCCAATACCACGGCGAAAACGAAAGAGCACAG	7263	AQYHGENERAQ	11852	YHGENER	0.294846	-0.08758
GS522	2675	GCCCAACTGCCTCATACTGCGCGTGTGGCACAG	7264	AQLPHTARVAQ	11853	LPHTARV	0.294761	-0.14958
SyS1004	2676	GCCCAAACCAGAGAAGGCAGCACCGGCGCACAG	7265	AQTREGSTGAQ	11854	TREGSTG	0.294636	-0.02281
GS525	2677	GCCCAAGTTGATCGTAGGGCGATGCTTGCACAG	7266	AQVDRRAMLAQ	11855	VDRRAML	0.294282	-0.08
SyS1005	2678	GCCCAAACCAGCGTCAGCGCCGTCATGGCACAG	7267	AQTSVSAVMAQ	11856	TSVSAVM	0.29428	-0.21679
SyS1006	2679	GCCCAAAGCCAAAAACTCACCGAAAAAGCACAG	7268	AQSQKLTEKAQ	11857	SQKLTEK	0.294248	-0.04613
SyS1007	2680	GCCCAAAGACTCCCCAGCCTCAGCGTCGCACAG	7269	AQRLPSLSVAQ	11858	RLPSLSV	0.294218	-0.049
SyS1008	2681	GCCCAAAGTGTTAGTGAGGGTAGTAGGGCACAG	7270	AQSVSEGSRAQ	11859	SVSEGSR	0.294121	-0.18245
SyS1009	2682	GCCCAAAGCATCCCCAGCGTCAGCGCCGCACAG	7271	AQSIPSVSAAQ	11860	SIPSVSA	0.294121	-0.13314
GS526	2683	GCCCAAACTACTAATAATGCTAAGAGTGCACAG	7272	AQTTNNAKSAQ	11861	TTNNAKS	0.294054	-0.13141
SyS1010	2684	GCCCAAGCGAGTGGGGAGGCTTCGACTGCACAG	7273	AQASGEASTAQ	11862	ASGEAST	0.293904	-0.11222
SyS1011	2685	GCCCAAGATAATAATTCGAGTATTGCTGCACAG	7274	AQDNNSSIAAQ	11863	DNNSSIA	0.293817	-0.21202
SyS1012	2686	GCCCAAGTCCACGACAACAGCAAACTCGCACAG	7275	AQVHDNSKLAQ	11864	VHDNSKL	0.293384	-0.0119
SyS1013	2687	GCCCAATCTACTTTGGCGGGTTCGGAGGCACAG	7276	AQSTLAGSEAQ	11865	STLAGSE	0.293384	-0.18527
SyS1014	2688	GCCCAACCTGAGAAGAGTCATTCGTCGGCACAG	7277	AQPEKSHSSAQ	11866	PEKSHSS	0.293335	0.032955
GS529	2689	GCCCAACAAATGCTCAGAGCCAGCGTCGCACAG	7278	AQQMLRASVAQ	11867	QMLRASV	0.293248	-0.17022
SyS1015	2690	GCCCAAGCCCTCAGCAACAACATCACCGCACAG	7279	AQALSNNITAQ	11868	ALSNNIT	0.293202	0.023276
SyS1016	2691	GCCCAAAGTTTGGCGAATCAGTTGCCTGCACAG	7280	AQSLANQLPAQ	11869	SLANQLP	0.29314	-0.10658
SyS1017	2692	GCCCAAGAACAAAGCAGACTCCAAACCGCACAG	7281	AQEQSRLQTAQ	11870	EQSRLQT	0.292969	0.059223
SyS1018	2693	GCCCAAAATTTGTCTCAGAATGTTATGGCACAG	7282	AQNLSQNVMAQ	11871	NLSQNVM	0.292952	-0.04783
SyS1019	2694	GCCCAAAGCCACAAACTCAGCAGCAGCGCACAG	7283	AQSHKLSSSAQ	11872	SHKLSSS	0.29295	0.045078
GP122	2695	GCCCAACCTACTAATACTAAGACGGCGGCACAG	7284	AQPTNTKTAAQ	11873	PTNTKTA	0.292879	-0.0737
GS530	2696	GCCCAAATGAATCCGGCTACTGTGGCTGCACAG	7285	AQMNPATVAAQ	11874	MNPATVA	0.29272	-0.03446
SyS1021	2697	GCCCAAAAGATTGAGCGTACGAATTTTGCACAG	7286	AQKIERTNFAQ	11875	KIERTNF	0.292715	-0.1986

도면33bz

GS532	2698	GCCCAAACTAGTCCTACGTATAAGTTGGCACAG	7287	AQTSPTYKLAQ	11876	TSPTYKL	0.292683	-0.16394
SyS1022	2699	GCCCAAAGGAGTGATCATATTGATTATGCACAG	7288	AQRSDHIDYAQ	11877	RSDHIDY	0.292545	-0.17314
GS533	2700	GCCCAAACTCTTGGTCTGAATACTAATGCACAG	7289	AQTLGLNTNAQ	11878	TLGLNTN	0.29252	-0.08599
GS534	2701	GCCCAACCCCTCAGCAACCAGGCACCGCACAG	7290	AQPLSNHGTAQ	11879	PLSNHGT	0.292259	-0.14779
SyS1023	2702	GCCCAAGCCGTCAGCAGACTCCCCATGGCACAG	7291	AQAVSRLPMAQ	11880	AVSRLPM	0.292237	-0.0617
SyS1024	2703	GCCCAACTCCTCACCGAAAGCAAAATGGCACAG	7292	AQLLTESKMAQ	11881	LLTESKM	0.292116	-0.05872
GS535	2704	GCCCAACATATGAGGACGGATACTGCTGCACAG	7293	AQHMRTDTAAQ	11882	HMRTDTA	0.292093	0.026545
SS65	2705	GCCCAAAGTCTTACGGTTAATGCGGCTGCACAG	7294	AQSLTVNAAAQ	11883	SLTVNAA	0.292051	-0.35371
SyS1025	2706	GCCCAAAACCCCAACGGCGTCACCGTCGCACAG	7295	AQNPNGVTVAQ	11884	NPNGVTV	0.292021	0.126305
GS536	2707	GCCCAAACTACTAAGTTGCCGACTCTTGCACAG	7296	AQTTKLPTLAQ	11885	TTKLPTL	0.291897	-0.16241
GS537	2708	GCCCAAAATTCTACGTCGAAGCAGCTGGCACAG	7297	AQNSTSKQLAQ	11886	NSTSKQL	0.291795	-0.10165
SyS1026	2709	GCCCAAACTTTGGGGTCGTCTAATACTGCACAG	7298	AQTLGSSNTAQ	11887	TLGSSNT	0.29177	0.260145
SyS1027	2710	GCCCAACCGCGTGCGACTGATCCGCAGGCACAG	7299	AQPRATDPQAQ	11888	PRATDPQ	0.291721	-0.15534
SyS1028	2711	GCCCAAAGCCTCCTCAACAAAACCACCGCACAG	7300	AQSLLNKTTAQ	11889	SLLNKTT	0.291681	-0.03372
SyS1029	2712	GCCCAACACAAAAAGCGACGGCAGCCCCGCACAG	7301	AQQKSDGSPAQ	11890	QKSDGSP	0.291669	-0.06584
SyS1030	2713	GCCCAAACCGTCAGCGGCTTCACCAAAGCACAG	7302	AQTVSGFTKAQ	11891	TVSGFTK	0.291528	-0.16386
SyS1031	2714	GCCCAAACCGTCCTCGTCAAAGCACCGCACAG	7303	AQTVLVKSTAQ	11892	TVLVKST	0.291496	-0.03529
SyS1032	2715	GCCCAAGGGGGCTCATATTTCTAATCCTGCACAG	7304	AQGAHISNPAQ	11893	GAHISNP	0.291472	-0.05008
SyS1033	2716	GCCCAAGAACCCAGCATCCCCAGACCCGCACAG	7305	AQEPSIPRPAQ	11894	EPSIPRP	0.291443	-0.01064
GS538	2717	GCCCAAGGCACCGTCCAAGCCAGACAAGCACAG	7306	AQGTVQARQAQ	11895	GTVQARQ	0.291432	-0.12617
GS539	2718	GCCCAAAATAATCATAATTATGTGGATGCACAG	7307	AQNNHNYVDAQ	11896	NNHNYVD	0.291265	-0.18099
SyS1034	2719	GCCCAAAGGACGGCGAGTGTTAGTTTGGCACAG	7308	AQRTASVSLAQ	11897	RTASVSL	0.291215	-0.02711
SyS1035	2720	GCCCAAATCAGCATGGACAACCACAGAGCACAG	7309	AQISMDNHRAQ	11898	ISMDNHR	0.291187	-0.14425
GS540	2721	GCCCAAAGTGATGGGCATAATCATTCTGCACAG	7310	AQSDGHNHSAQ	11899	SDGHNHS	0.291146	-0.15288
SyS1036	2722	GCCCAAAGCGCCGGCAGCGGCATCGGCGCACAG	7311	AQSAGSGIGAQ	11900	SAGSGIG	0.290985	-0.22527
GS541	2723	GCCCAAAAAGCCACCCTCAGCGAAAAAGCACAG	7312	AQKATLSEKAQ	11901	KATLSEK	0.290766	-0.1747
GS542	2724	GCCCAAATCCACGCCGGCGGCCAAAGAGCACAG	7313	AQIHAGGQRAQ	11902	IHAGGQR	0.290742	-0.07711
SyS1038	2725	GCCCAACTGACTCCTAGTAGTGCGAATGCACAG	7314	AQLTPSSANAQ	11903	LTPSSAN	0.290681	-0.11131
GS543	2726	GCCCAAGACGGCAAAGCCTACAACCACGCACAG	7315	AQDGKAYNHAQ	11904	DGKAYNH	0.290644	-0.08049
GS544	2727	GCCCAATGGTCGGCGCAGACGATGAATGCACAG	7316	AQWSAQTMNAQ	11905	WSAQTMN	0.290564	-0.15855
TS155	2728	GCCCAAAATAGTACGCGGATTATTGTTGCACAG	7317	AQNSTRIIVAQ	11906	NSTRIIV	0.290552	-0.32039
GS545	2729	GCCCAAAAAAACAGCAGCATGCTCCTCGCACAG	7318	AQKNSSMLLAQ	11907	KNSSMLL	0.290508	-0.18457

도면33ca

GS546	2730	GCCCAAAGACAAGTCAGCGGCACCAGCGCACAG	7319	AQRQVSGTSAQ	11908	RQVSGTS	0.290227	-0.07752
SyS1039	2731	GCCCAACCCGTCACCGGCAACAGCGACGCACAG	7320	AQPVTGNSDAQ	11909	PVTGNSD	0.290223	-0.13048
GS548	2732	GCCCAAATGTACCCCGACAGACACAGCGCACAG	7321	AQMYPDRHSAQ	11910	MYPDRHS	0.29019	-0.15227
SyS1040	2733	GCCCAAACCTACCAAATCGGCGCCGTCGCACAG	7322	AQTYQIGAVAQ	11911	TYQIGAV	0.29007	-0.19723
GS549	2734	GCCCAAAAAACCGGCAGCCTCAGCGCCGCACAG	7323	AQKTGSLSAAQ	11912	KTGSLSA	0.289983	-0.06165
SyS1041	2735	GCCCAAATCATCCCCGCCAGCAGCCCCGCACAG	7324	AQIIPASSPAQ	11913	IIPASSP	0.289839	0.121455
GS550	2736	GCCCAAGACAACCAAGGCACCAAACACGCACAG	7325	AQDNQGTKHAQ	11914	DNQGTKH	0.289725	-0.03079
GS551	2737	GCCCAAAGCTACAAAGAAAGCCCCAGCGCACAG	7326	AQSYKESPSAQ	11915	SYKESPS	0.28952	-0.05844
SyS1042	2738	GCCCAAGCCATCATCAGCAACAACAGAGCACAG	7327	AQAIISNNRAQ	11916	AIISNNR	0.289509	-0.09122
SyS1043	2739	GCCCAAACCGACCAAATCAGAACCTACGCACAG	7328	AQTDQIRTYAQ	11917	TDQIRTY	0.289464	-0.12291
SyS1044	2740	GCCCAACACAGCGCCACCAACATCGACGCACAG	7329	AQHSATNIDAQ	11918	HSATNID	0.289436	-0.08891
SyS1045	2741	GCCCAAGGCACCGTCAACATCAGCGCCGCACAG	7330	AQGTVNISAAQ	11919	GTVNISA	0.2894	-0.13798
SyS1046	2742	GCCCAAGCTGTTGTTCCGGCTATGCAGGCACAG	7331	AQAVVPAMQAQ	11920	AVVPAMQ	0.2894	-0.23255
SyS1047	2743	GCCCAAATCCCCAGAAGCGACCCCAGCGCACAG	7332	AQIPRSDPSAQ	11921	IPRSDPS	0.289334	0.133056
GS553	2744	GCCCAAACTAAGTATACGTTGCAGAGTGCACAG	7333	AQTKYTLQSAQ	11922	TKYTLQS	0.28888	-0.06245
SyS1050	2745	GCCCAATCTCTGCGTGAGACGAGTATTGCACAG	7334	AQSLRETSIAQ	11923	SLRETSI	0.288816	-0.08828
SyS1051	2746	GCCCAAGAGGGTGATAATAAGCGGTTGGCACAG	7335	AQEGDNKRLAQ	11924	EGDNKRL	0.288603	-0.16397
SyS1052	2747	GCCCAAATCGTCAGCAGCACCAGCAGCGCACAG	7336	AQIVSSTSSAQ	11925	IVSSTSS	0.28856	0.01345
GS554	2748	GCCCAATTGGTGAATTCTGGGGCGCATGCACAG	7337	AQLVNSGAHAQ	11926	LVNSGAH	0.288432	-0.09841
SyS1053	2749	GCCCAACGTACGTCGGATAATCAGACGGCACAG	7338	AQRTSDNQTAQ	11927	RTSDNQT	0.288338	0.057271
GS555	2750	GCCCAACCCGACGGCAAAAGCCTCGCCGCACAG	7339	AQPDGKSLAAQ	11928	PDGKSLA	0.288271	-0.11074
SyS1054	2751	GCCCAACACACAAAAACATGCTCGAAACCGCACAG	7340	AQHKNMLETAQ	11929	HKNMLET	0.288245	-0.17678
GS556	2752	GCCCAACTCAGCCCCGGCGTCACCGCCGCACAG	7341	AQLSPGVTAAQ	11930	LSPGVTA	0.288083	-0.08353
TS156	2753	GCCCAAACCAACCACACCAGAAACACCGCACAG	7342	AQTNHTRNTAQ	11931	TNHTRNT	0.288053	0.024621
SyS1055	2754	GCCCAACTCGGCGACAGCGAAAGAAACGCACAG	7343	AQLGDSERNAQ	11932	LGDSERN	0.288003	-0.13314
SyS1056	2755	GCCCAACTCCTCAAAATCGAACAAATGGCACAG	7344	AQLLKIEQMAQ	11933	LLKIEQM	0.288003	-0.17072
GS557	2756	GCCCAAAGCCACCTCAAAGAACACCCCGCACAG	7345	AQSHLKEHPAQ	11934	SHLKEHP	0.287866	-0.03141
SS68	2757	GCCCAACCCATCGACAACAGACAATACGCACAG	7346	AQPIDNRQYAQ	11935	PIDNRQY	0.287402	-0.31048
SyS1058	2758	GCCCAAGATATGCATTCGGGGGTGAAGGCACAG	7347	AQDMHSGVKAQ	11936	DMHSGVK	0.287371	-0.10493
SyS1059	2759	GCCCAACCTTCGTCGCCTATTCCGAATGCACAG	7348	AQPSSPIPNAQ	11937	PSSPIPN	0.287367	-0.19353
SyS1061	2760	GCCCAACTCAGCAGCACCCTCGACGACGCACAG	7349	AQLSSTLDDAQ	11938	LSSTLDD	0.287224	-0.19011
SyS1062	2761	GCCCAACCCAACACCGCCCACAGCAGCGCACAG	7350	AQPNTAHSSAQ	11939	PNTAHSS	0.287109	-0.03284

도면33cb

SyS1063	2762	GCCCAAGCCACCAGAGTCGACGTCATCGCACAG	7351	AQATRVDVIAQ	11940	ATRVDVI	0.28708	0.115394
GS558	2763	GCCCAAAGCACCAACGTCACCACCGTCGCACAG	7352	AQSTNVTTVAQ	11941	STNVTTV	0.287059	-0.10292
SyS1064	2764	GCCCAATATGGTAATAATAGTTTTAGTGCACAG	7353	AQYGNNSFSAQ	11942	YGNNSFS	0.28698	0.020733
SyS1065	2765	GCCCAACCCACCGCCAAACCCATGTACGCACAG	7354	AQPTAKPMYAQ	11943	PTAKPMY	0.28686	-0.0907
SyS1066	2766	GCCCAACTCCCCAACCTCCCCACCATCGCACAG	7355	AQLPNLPTIAQ	11944	LPNLPTI	0.286792	-0.17799
GS560	2767	GCCCAAACTAGGTTGCCGAATATTAGTGCACAG	7356	AQTRLPNISAQ	11945	TRLPNIS	0.286766	-0.17022
GS561	2768	GCCCAACATAAGCATTCTACGCAGGGTGCACAG	7357	AQHKHSTQGAQ	11946	HKHSTQG	0.286766	-0.17022
GS562	2769	GCCCAAAATGGTACGAATGGTTTTACTGCACAG	7358	AQNGTNGFTAQ	11947	NGTNGFT	0.286695	-0.06992
SyS1067	2770	GCCCAAAGCACCGACGCCATCAGATTCGCACAG	7359	AQSTDAIRFAQ	11948	STDAIRF	0.286524	-0.12222
GS563	2771	GCCCAACTGGTTCGTGATCATACGGCGGCACAG	7360	AQLVRDHTAAQ	11949	LVRDHTA	0.286491	-0.11663
SyS1069	2772	GCCCAAATCAGCCTCGGCTACAGCAAAGCACAG	7361	AQISLGYSKAQ	11950	ISLGYSK	0.286475	-0.21557
SyS1070	2773	GCCCAACTTTTGGTTCTTCGCATACGGCACAG	7362	AQLFGSSHTAQ	11951	LFGSSHT	0.286475	-0.21557
SyS1071	2774	GCCCAAAGCACCATCACCCCCAGACTCGCACAG	7363	AQSTITPRLAQ	11952	STITPRL	0.286416	-0.16587
SyS1072	2775	GCCCAACAGATTACTAATGGGCTGCGTGCACAG	7364	AQQITNGLRAQ	11953	QITNGLR	0.286347	-0.11252
SyS1073	2776	GCCCAAACGACGGAGTATAATATTCGTGCACAG	7365	AQTTEYNIRAQ	11954	TTEYNIR	0.286245	-0.1101
SyS1074	2777	GCCCAAACCGACCTCGGCAGAGGCACCGCACAG	7366	AQTDLGRGTAQ	11955	TDLGRGT	0.286128	0.04021
GS564	2778	GCCCAAGAAAGAAGCCCCACCATCCTCGCACAG	7367	AQERSPTILAQ	11956	ERSPTIL	0.286103	-0.17195
SyS1075	2779	GCCCAACATGGGGATTCTGCGAGGACTGCACAG	7368	AQHGDSARTAQ	11957	HGDSART	0.286062	0.001434
SyS1077	2780	GCCCAATTGAGTGTGCCTAATCAGCAGGCACAG	7369	AQLSVPNQQAQ	11958	LSVPNQQ	0.285811	0.019619
SyS1078	2781	GCCCAAAGCGACGGCCCCGTCCCCAGAGCACAG	7370	AQSDGPVPRAQ	11959	SDGPVPR	0.285737	-0.10136
GS565	2782	GCCCAAAATATGAATCATATTGCTTCTGCACAG	7371	AQNMNHIASAQ	11960	NMNHIAS	0.28572	-0.04994
SyS1079	2783	GCCCAAGTCCCCAACAGCCCCCAAAGAGCACAG	7372	AQVPNSPQRAQ	11961	VPNSPQR	0.285696	-0.06754
SS70	2784	GCCCAAGACAGAATGGCCAGCAGCAGAGCACAG	7373	AQDRMASSRAQ	11962	DRMASSR	0.285607	-0.34425
SyS1080	2785	GCCCAATTGCTGTCGAATTCGAGTCAGGCACAG	7374	AQLLSNSSQAQ	11963	LLSNSSQ	0.285424	0.07245
GS567	2786	GCCCAAGAGACGGCGGTGTTGAATCATGCACAG	7375	AQETAVLNHAQ	11964	ETAVLNH	0.285405	-0.14868
GS568	2787	GCCCAAGAACAAAGAACCCCCAGCCCCGCACAG	7376	AQEQRTPSPAQ	11965	EQRTPSP	0.285349	-0.02041
SyS1081	2788	GCCCAACAACACCTCAACGGCAGCATCGCACAG	7377	AQQHLNGSIAQ	11966	QHLNGSI	0.285255	0.080069
SyS1082	2789	GCCCAAAGCGTCCTCCAAGTCGAAGGCGCACAG	7378	AQSVLQVEGAQ	11967	SVLQVEG	0.285245	-0.17259
SyS1083	2790	GCCCAATTTCTGTCGGGTACGACTAAGGCACAG	7379	AQFLSGTTKAQ	11968	FLSGTTK	0.285183	-0.17314
SyS1085	2791	GCCCAAGGTAATCCGAATGATCGGCAGGCACAG	7380	AQGNPNDRQAQ	11969	GNPNDRQ	0.284868	0.038445
SyS1086	2792	GCCCAAACCGACAAAGCCGTCCAAATCGCACAG	7381	AQTDKAVQIAQ	11970	TDKAVQI	0.284813	-0.02105
GS569	2793	GCCCAAGAGAAGTATACGGGTTCGCCTGCACAG	7382	AQEKYTGSPAQ	11971	EKYTGSP	0.284752	-0.08897

도면33cc

GS570	2794	GCCCAACTCGCCGGCAGCAGAAACCTCGCACAG	7383	AQLAGSRNLAQ	11972	LAGSRNL	0.284402	-0.02848
SyS1087	2795	GCCCAAATGATCCCCAGCACCAACTTCGCACAG	7384	AQMIPSTNFAQ	11973	MIPSTNF	0.28421	-0.0822
GS572	2796	GCCCAACCTTTGACGGGGTTCTAGTGCTCGCACAG	7385	AQPLTGSSAAQ	11974	PLTGSSA	0.284117	-0.10557
SyS1088	2797	GCCCAAAGCGTCAGCAACGCCTTCAGCGCACAG	7386	AQSVSNAFSAQ	11975	SVSNAFS	0.284101	-0.196
GS573	2798	GCCCAACAGGGGGGTCAGGCGCTTAGGGCACAG	7387	AQQGGQALRAQ	11976	QGGQALR	0.283993	-0.16337
GS574	2799	GCCCAACACCCCGGCCAAACCCTCAGCGCACAG	7388	AQHPGQTLSAQ	11977	HPGQTLS	0.28394	-0.15586
GS575	2800	GCCCAAAAGGAGTATAATACGTATAGTGCACAG	7389	AQKEYNTYSAQ	11978	KEYNTYS	0.283589	-0.1701
SyS1089	2801	GCCCAAACCCACACCGCCCAACCCAGCGCACAG	7390	AQTHTAQPSAQ	11979	THTAQPS	0.283513	-0.14667
SyS1090	2802	GCCCAAATGACGCCGCAGGTTCCTCGTGCACAG	7391	AQMTPQVPRAQ	11980	MTPQVPR	0.283499	-0.15617
SyS1091	2803	GCCCAAACTCGGGTTTCTAGTCTTGCGGCACAG	7392	AQTRVSSLAAQ	11981	TRVSSLA	0.283423	-0.15011
SyS1092	2804	GCCCAACACGCCGACCTCAAAATCGTCGCACAG	7393	AQHADLKIVAQ	11982	HADLKIV	0.283397	-0.05645
SyS1093	2805	GCCCAAAACAGAAACACCGACACCGTCGCACAG	7394	AQNRNTDTVAQ	11983	NRNTDTV	0.283396	-0.01003
SyS1094	2806	GCCCAAGCCCACAAAGACAACCACCTCGCACAG	7395	AQAHKDNHLAQ	11984	AHKDNHL	0.283218	-0.13192
SyS1095	2807	GCCCAATCTGTTCCTGTGCCTGCTGCACAG	7396	AQSVPVPAAAQ	11985	SVPVPAA	0.283166	-0.09997
GS577	2808	GCCCAACAAACCAACAGCGCCCTCATGGCACAG	7397	AQQTNSALMAQ	11986	QTNSALM	0.283146	-0.11549
GS578	2809	GCCCAACTCGGCAGAGACACCGCCTACGCACAG	7398	AQLGRDTAYAQ	11987	LGRDTAY	0.283146	-0.09664
SyP48	2810	GCCCAAAGTTCTGTTGCTCTTGTTGTTGCACAG	7399	AQSSVALVVAQ	11988	SSVALVV	0.282934	-0.04243
GS579	2811	GCCCAAATGAACGCCGCCACCACCCAAGCACAG	7400	AQMNAATTQAQ	11989	MNAATTQ	0.282892	-0.11642
GS581	2812	GCCCAAATGGTTTCTACGGCTAAGGATGCACAG	7401	AQMVSTAKDAQ	11990	MVSTAKD	0.282806	-0.01428
SyS1097	2813	GCCCAACTGGGTCAGATGTATTCTCCGGCACAG	7402	AQLGQMYSPAQ	11991	LGQMYSP	0.28245	-0.19723
GS583	2814	GCCCAAGATTCGAAGGAGAAGCCTAATGCACAG	7403	AQDSKEKPNAQ	11992	DSKEKPN	0.282074	-0.18816
SyS1098	2815	GCCCAAAGCCCCCCCGTCCAAGGCCTCGCACAG	7404	AQSPPVQGLAQ	11993	SPPVQGL	0.28194	-0.10889
SyS1099	2816	GCCCAAACTGCGTCGGATCGTTTGCCGGCACAG	7405	AQTASDRLPAQ	11994	TASDRLP	0.281925	-0.04427
SyS1100	2817	GCCCAAATCTACAGCCCCACCACCGTCGCACAG	7406	AQIYSPTTVAQ	11995	IYSPTTV	0.28173	0.009655
SyS1101	2818	GCCCAAAGTCAGTCTAAGGAGCTGCGGGCACAG	7407	AQSQSKELRAQ	11996	SQSKELR	0.28162	-0.14795
SyS1102	2819	GCCCAAGGCGCCCTCAACGGCGGCGTCGCACAG	7408	AQGALNGGVAQ	11997	GALNGGV	0.28162	-0.09251
GS585	2820	GCCCAAACTATTATTAATTCGAGTAAGGCACAG	7409	AQTIINSSKAQ	11998	TIINSSK	0.281489	-0.18054
GS586	2821	GCCCAACCTGTGAGTGCTCAGCCTGTTGCACAG	7410	AQPVSAQPVAQ	11999	PVSAQPV	0.281416	-0.16663
SyS1103	2822	GCCCAATCTAATGAGGCGGTGACTAATGCACAG	7411	AQSNEAVTNAQ	12000	SNEAVTN	0.281348	-0.11723
SyS1104	2823	GCCCAAGCGAGTATGCAGATGAATCGTGCACAG	7412	AQASMQMNRAQ	12001	ASMQMNR	0.281339	-0.06586
SyS1105	2824	GCCCAAAGCGTCGGCAAAAGCGAACTCGCACAG	7413	AQSVGKSELAQ	12002	SVGKSEL	0.281132	0.014504
SyS1106	2825	GCCCAATCTCAGGTTAATCCTTCTAGTGCACAG	7414	AQSQVNPSSAQ	12003	SQVNPSS	0.280883	-0.06161

도면33cd

SyS1107	2826	GCCCAAATTACGACTGATCAGCCTTTGCACAG	7415	AQITTDQPFAQ	12004	ITTDQPF	0.280883	-0.16466
SyS1109	2827	GCCCAAAATAATGGGTCTGGTTCTTATGCACAG	7416	AQNNGSGSYAQ	12005	NNGSGSY	0.280653	-0.22064
GS587	2828	GCCCAAACCCTCGCCAGAAGCAGCGTCGCACAG	7417	AQTLARSSVAQ	12006	TLARSSV	0.280506	0.024598
GS588	2829	GCCCAAAACGCCAGCACCATGACCAGAGCACAG	7418	AQNASTMTRAQ	12007	NASTMTR	0.280372	-0.01638
GP124	2830	GCCCAAACGAATCAGGTGAGGTATGTTGCACAG	7419	AQTNQVRYVAQ	12008	TNQVRYV	0.280321	-0.06218
GS589	2831	GCCCAAAGCACCCAAAGCCCCAACAGAGCACAG	7420	AQSTQSPNRAQ	12009	STQSPNR	0.280294	-0.0613
GS590	2832	GCCCAAGATACGGGGGCGAGGGGGTTGGCACAG	7421	AQDTGARGLAQ	12010	DTGARGL	0.279908	-0.09508
SyS1110	2833	GCCCAACCTGGTTCTCATGTGGTGGCTGCACAG	7422	AQPGSHVVAAQ	12011	PGSHVVA	0.279813	-0.10701
SyS1112	2834	GCCCAAGCCAACGGCATCGAAACCAAAGCACAG	7423	AQANGIETKAQ	12012	ANGIETK	0.279639	-0.14768
SyS1113	2835	GCCCAAGCGCATGGTCAGGTGCAGGAGGCACAG	7424	AQAHGQVQEAQ	12013	AHGQVQE	0.279602	-0.15374
SyS1114	2836	GCCCAAGCTCTGAGTCATGATCTTTCGGCACAG	7425	AQALSHDLSAQ	12014	ALSHDLS	0.279563	-0.15981
SyS1115	2837	GCCCAACTCGGCAGCAGCCTCACCGCCGCACAG	7426	AQLGSSLTAAQ	12015	LGSSLTA	0.279545	-0.0211
SS74	2838	GCCCAAGGCAACAACACCGCCAAACTCGCACAG	7427	AQGNNTAKLAQ	12016	GNNTAKL	0.279413	-0.32548
SyS1116	2839	GCCCAAAATTATGCTCAGTCTGCGCTTGCACAG	7428	AQNYAQSALAQ	12017	NYAQSAL	0.279327	-0.19011
GS592	2840	GCCCAAGATTCGCAGAGTAAGACTTTTGCACAG	7429	AQDSQSKTFAQ	12018	DSQSKTF	0.279314	-0.15955
TS157	2841	GCCCAAACTAATCATGTTAAGTTTACGGCACAG	7430	AQTNHVKFTAQ	12019	TNHVKFT	0.279279	-0.09196
GS593	2842	GCCCAAAGCACCCCCACCCACGGCCTCGCACAG	7431	AQSTPTHGLAQ	12020	STPTHGL	0.279226	-0.09374
SyS1117	2843	GCCCAAAGTGTGGGGTTGACGATGGTGGCACAG	7432	AQSVGLTMVAQ	12021	SVGLTMV	0.279206	-0.20224
SyS1118	2844	GCCCAAATTCCGAAGGGTTCTGGGGCGGCACAG	7433	AQIPKGSGAAQ	12022	IPKGSGA	0.279091	0.080236
GS594	2845	GCCCAAACCGCCCAAGCCAGAGTCCTCGCACAG	7434	AQTAQARVLAQ	12023	TAQARVL	0.279047	-0.1122
GS595	2846	GCCCAATGGCACGCCGGCAGCGTCGGCGCACAG	7435	AQWHAGSVGAQ	12024	WHAGSVG	0.279017	-0.09667
SyS1119	2847	GCCCAATCGCAGTCTCTTTGGTTGAGGCACAG	7436	AQSQSLLVEAQ	12025	SQSLLVE	0.278987	-0.22042
SyS1120	2848	GCCCAAAATAATAGTGGGCCTTTGAAGGCACAG	7437	AQNNSGPLKAQ	12026	NNSGPLK	0.278922	-0.21078
SyS1121	2849	GCCCAAAGGGATAATGCTATTGAGCATGCACAG	7438	AQRDNAIEHAQ	12027	RDNAIEH	0.278763	-0.17259
GS597	2850	GCCCAAACTATGTCGAATATTACGAGGGCACAG	7439	AQTMSNITRAQ	12028	TMSNITR	0.278669	0.034782
SyS1122	2851	GCCCAACTCAGCACCCTCAGCCAAATGGCACAG	7440	AQLSTLSQMAQ	12029	LSTLSQM	0.278541	-0.0734
GS598	2852	GCCCAAGTCATGCAAAACTACGGCAGCGCACAG	7441	AQVMQNYGSAQ	12030	VMQNYGS	0.278395	-0.1774
SyS1123	2853	GCCCAAACTCATTCGGCGCAGCAGAATGCACAG	7442	AQTHSAQQNAQ	12031	THSAQQN	0.277996	-0.10236
GS601	2854	GCCCAATCGGTTCCTCCGAATAGGAATGCACAG	7443	AQSVPPNRNAQ	12032	SVPPNRN	0.277804	-0.13857
SyS1125	2855	GCCCAATCTGTTGCGGCGAGTCCTCGTGCACAG	7444	AQSVAASPRAQ	12033	SVAASPR	0.277759	-0.03359
SyS1127	2856	GCCCAAAATAATACTTCGACGCTGCATGCACAG	7445	AQNNTSTLHAQ	12034	NNTSTLH	0.277642	-0.19739
SyS1128	2857	GCCCAAAATCTTTCTGATCATATGCCGGCACAG	7446	AQNLSDHMPAQ	12035	NLSDHMP	0.277561	-0.22803

도면33ce

GP125	2858	GCCCAAGGTCTGTATGCTACGACTTCTGCACAG	7447	AQGLYATTSAQ	12036	GLYATTS	0.277546	0.324596
SyS1129	2859	GCCCAACGTAATGGTGGTGCGAATGTTGCACAG	7448	AQRNGGANVAQ	12037	RNGGANV	0.277332	0.271066
SyS1130	2860	GCCCAATTCCACAACCTCACCCTCAGCGCACAG	7449	AQFHNLTLSAQ	12038	FHNLTLS	0.277251	-0.09337
SyS1131	2861	GCCCAATGGAAGAGTCCTGCTGCTATTGCACAG	7450	AQWKSPAAIAQ	12039	WKSPAAI	0.277234	-0.14405
SyS1132	2862	GCCCAACCCAAAGGCCTCAGCGGCGAAGCACAG	7451	AQPKGLSGEAQ	12040	PKGLSGE	0.277183	0.248416
GS603	2863	GCCCAATCGCATTATCAGTTGCATCCGGCACAG	7452	AQSHYQLHPAQ	12041	SHYQLHP	0.27717	-0.17005
SyS1133	2864	GCCCAAACCACCTTCAGAAGGCCCCCGCACAG	7453	AQTTFRSAPAQ	12042	TTFRSAP	0.277074	-0.08464
SyS1134	2865	GCCCAATACGACGCCACCCACAGCGCCGCACAG	7454	AQYDATHSAAQ	12043	YDATHSA	0.27674	-0.16889
GS605	2866	GCCCAAAATCAGTCGGGTCCGTTGAAGGCACAG	7455	AQNQSGPLKAQ	12044	NQSGPLK	0.276624	-0.00392
SyS1135	2867	GCCCAACACACCAACATGACCAGCATGGCACAG	7456	AQHTNMTSMAQ	12045	HTNMTSM	0.276609	0.123822
SyS1136	2868	GCCCAACATATGAAGAGTCAGCTGCCGGCACAG	7457	AQHMKSQLPAQ	12046	HMKSQLP	0.276324	0.098421
GS606	2869	GCCCAAAAACTCCCCACCATGGCCAACGCACAG	7458	AQKLPTMANAQ	12047	KLPTMAN	0.275986	-0.0594
GS607	2870	GCCCAAGTTGGGACTAATGCCGAATCATGCACAG	7459	AQVGTNANHAQ	12048	VGTNANH	0.275965	-0.13666
GP126	2871	GCCCAATTGAAGACTGATCCTTTCTGGCACAG	7460	AQLKTDPFLAQ	12049	LKTDPFL	0.275884	-0.07259
GS608	2872	GCCCAACACCTCCAACAAAACCTCACCGCACAG	7461	AQHLQQNLTAQ	12050	HLQQNLT	0.275812	-0.16146
SyS1137	2873	GCCCAAACTCAGAATAAGAATTCTCATGCACAG	7462	AQTQNKNSHAQ	12051	TQNKNSH	0.275704	-0.04648
SS76	2874	GCCCAACCCAACGCCCAAAGCCAAAGAGCACAG	7463	AQPNAQSQRAQ	12052	PNAQSQR	0.27556	-0.34576
SyS1138	2875	GCCCAAGGTAGTGGTCATTCGACTCTTGCACAG	7464	AQGSGHSTLAQ	12053	GSGHSTL	0.275521	-0.11616
SyS1139	2876	GCCCAATTGACGGGTAGGCTTGAGAAGGCACAG	7465	AQLTGRLEKAQ	12054	LTGRLEK	0.275499	-0.06888
SyS1140	2877	GCCCAACCCAGCAGAAACGCCAGCCTCGCACAG	7466	AQPSRNASLAQ	12055	PSRNASL	0.275483	-0.0216
GS610	2878	GCCCAAGTTTTTAGGACGTCGGATCTTGCACAG	7467	AQVFRTSDLAQ	12056	VFRTSDL	0.275429	-0.12297
GS611	2879	GCCCAAAATCGCCAGCACCTACAGCAGCGCACAG	7468	AQIASTYSSAQ	12057	IASTYSS	0.275379	0.042246
SyS1141	2880	GCCCAAACCATCAACCACGCCCACCAGCGCACAG	7469	AQTINHATSAQ	12058	TINHATS	0.275307	0.060839
SyS1142	2881	GCCCAAGCTATGAATAATCGTGCTCATGCACAG	7470	AQAMNNRAHAQ	12059	AMNNRAH	0.275089	-0.19723
GS612	2882	GCCCAATCGCATCATGAGCAGGTTTCTGCACAG	7471	AQSHHEQVSAQ	12060	SHHEQVS	0.274982	-0.12807
SyS1143	2883	GCCCAATCGGGGGTTACTAGTAAGCTTGCACAG	7472	AQSGVTSKLAQ	12061	SGVTSKL	0.274938	-0.12208
SyS1144	2884	GCCCAAGTGTTTACTAATGATGTGCCTGCACAG	7473	AQVFTNDVPAQ	12062	VFTNDVP	0.274934	-0.14041
SyS1145	2885	GCCCAAGCTGCGGTGTTGGTGGCTCCGGCACAG	7474	AQAAVLVAPAQ	12063	AAVLVAP	0.274757	-0.22434
GS613	2886	GCCCAACCCACCGCCGGCAGATACCTCGCACAG	7475	AQPTAGRYLAQ	12064	PTAGRYL	0.274712	-0.18816
GS614	2887	GCCCAACATCTTAATTCGCAGAATATGGCACAG	7476	AQHLNSQNMAQ	12065	HLNSQNM	0.274394	-0.04601
SyS1146	2888	GCCCAACCCAACCCCAACGTCGGCAGAGCACAG	7477	AQPNPNVGRAQ	12066	PNPNVGR	0.274299	0.025701
SyS1147	2889	GCCCAAGCTAGTGAGAATCTTCGTTCGGCACAG	7478	AQASENLRSAQ	12067	ASENLRS	0.2742	-0.12824

도면33cf

GP127	2890	GCCCAAAATAGTCCGATGAGGACTGCTGCACAG	7479	AQNSPMRTAAQ	12068	NSPMRTA	0.273993	-0.07315
SyP49	2891	GCCCAAGTTGCTGGTACGAATCAGCCGGCACAG	7480	AQVAGTNQPAQ	12069	VAGTNQP	0.273896	-0.04327
SyS1149	2892	GCCCAAGGGTCGGAGTCTAGTATGCGGGCACAG	7481	AQGSESSMRAQ	12070	GSESSMR	0.273598	-0.03614
GS616	2893	GCCCAAACGTTGGCGTCTGCTTCGCGGGCACAG	7482	AQTLASASRAQ	12071	TLASASR	0.273592	-0.14592
SyS1150	2894	GCCCAAATTTCGCAGTCTTGGACTGCTGCACAG	7483	AQISQSWTAAQ	12072	ISQSWTA	0.273499	-0.00996
SyS1151	2895	GCCCAAAGTGGTGATTCGAGGTCTACTGCACAG	7484	AQSGDSRSTAQ	12073	SGDSRST	0.273214	-0.06701
SyS1152	2896	GCCCAACCCAACATCAAAACCGACCTCGCACAG	7485	AQPNIKTDLAQ	12074	PNIKTDL	0.273105	-0.03104
SyS1154	2897	GCCCAATGGCAAGCCACCGACACCGCCGCACAG	7486	AQWQATDTAAQ	12075	WQATDTA	0.273081	-0.15981
GS617	2898	GCCCAAAACAACAACGTCGTCACCTACGCACAG	7487	AQNNNVVTYAQ	12076	NNNVVTY	0.273055	-0.01771
GS618	2899	GCCCAAAAGGCTATTAGTACGGCTAATGCACAG	7488	AQKAISTANAQ	12077	KAISTAN	0.273038	-0.04153
GS619	2900	GCCCAAAGGCAGGAGGTGAGTGGTAATGCACAG	7489	AQRQEVSGNAQ	12078	RQEVSGN	0.273031	-0.13857
SyS1155	2901	GCCCAATGGCAAGACCTCAACGTCGTCGCACAG	7490	AQWQDLNVVAQ	12079	WQDLNVV	0.272986	-0.19496
SyS1157	2902	GCCCAAAGTCGTTCTGATAATCCTCTGGCACAG	7491	AQSRSDNPLAQ	12080	SRSDNPL	0.272715	-0.01048
GP128	2903	GCCCAAATTGGTTCGTCTACTAAGCCTGCACAG	7492	AQIGSSTKPAQ	12081	IGSSTKP	0.272685	-0.07433
SyS1158	2904	GCCCAAAGCCCCATCATCAACACCAGCGCACAG	7493	AQSPIINTSAQ	12082	SPIINTS	0.272664	-0.00749
GS621	2905	GCCCAAGATAAGGATACTGCTGCTCCTGCACAG	7494	AQDKDTAAPAQ	12083	DKDTAAP	0.272552	-0.17112
SyS1160	2906	GCCCAAAGCAAAGTCGACAGCAGCTACGCACAG	7495	AQSKVDSSYAQ	12084	SKVDSSY	0.272199	0.039017
GS622	2907	GCCCAAACCCTCACCAGAGGCACCCCCGCACAG	7496	AQTLTRGTPAQ	12085	TLTRGTP	0.272157	-0.11459
SyS1161	2908	GCCCAAACCAGAACCAGCCCCATCCAAGCACAG	7497	AQTRTSPIQAQ	12086	TRTSPIQ	0.272145	0.276035
SyS1162	2909	GCCCAACTGACTAGTGCGACTACTAATGCACAG	7498	AQLTSATTNAQ	12087	LTSATTN	0.271967	-0.03654
SyS1163	2910	GCCCAAACGATTAATATTCATTCGGCTGCACAG	7499	AQTINIHSAAQ	12088	TINIHSA	0.271956	0.018437
GS624	2911	GCCCAATCGTTTTCGCCTGAGAATCGTGCACAG	7500	AQSFSPENRAQ	12089	SFSPENR	0.271946	-0.02008
GS625	2912	GCCCAAGGGATGGCTCTGGGGACGGGGGCACAG	7501	AQGMALGTGAQ	12090	GMALGTG	0.271775	-0.1119
SyS1164	2913	GCCCAATACAACGGCACCCAAGGCAGAGCACAG	7502	AQYNGTQGRAQ	12091	YNGTQGR	0.271748	-0.04076
GS626	2914	GCCCAAAACAAACTCCTCGAACACCCCGCACAG	7503	AQNKLLEHPAQ	12092	NKLLEHP	0.271731	-0.12087
SyS1165	2915	GCCCAATATGTTAATAATGTTGCTCCGGCACAG	7504	AQYVNNVAPAQ	12093	YVNNVAP	0.271696	-0.08207
SyS1166	2916	GCCCAATATAGTGTGGTGCATGATAAGGCACAG	7505	AQYSVVHDKAQ	12094	YSVVHDK	0.271642	-0.21921
GS627	2917	GCCCAAGGCCTCGAAACCAGACACATGGCACAG	7506	AQGLETRHMAQ	12095	GLETRHM	0.271626	-0.13881
SyS1167	2918	GCCCAAGCGCCTAATTGATGGCGGATGCACAG	7507	AQAPNLMADAQ	12096	APNLMAD	0.271598	-0.09085
SyS1168	2919	GCCCAAAACAGCAACGGCATGGCCCCCGCACAG	7508	AQNSNGMAPAQ	12097	NSNGMAP	0.271581	0.042555
SyS1169	2920	GCCCAAAGTTTGAATTATAGTCAGAATGCACAG	7509	AQSLNYSQNAQ	12098	SLNYSQN	0.271519	7.41E-05
SyS1170	2921	GCCCAAACCGAATACGCCAACGGCAGAGCACAG	7510	AQTEYANGRAQ	12099	TEYANGR	0.27145	-0.08881

도면33cg

GP129	2922	GCCCAACCTCTTGGGCATGTTAGGTCTGCACAG	7511	AQPLGHVRSAQ	12100	PLGHVRS	0.271369	0.161673
GS628	2923	GCCCAACTTCGGGATTCGCCGGGGCTGGCACAG	7512	AQLRDSPGLAQ	12101	LRDSPGL	0.271307	-0.1747
SyS1171	2924	GCCCAAGTTATTAGGTCGAATACTCATGCACAG	7513	AQVIRSNTHAQ	12102	VIRSNTH	0.271216	-0.15781
SyS1172	2925	GCCCAAGCGTCGGTGAGTAATCTTTCGGCACAG	7514	AQASVSNLSAQ	12103	ASVSNLS	0.271028	-0.12012
SyS1173	2926	GCCCAATGGGCCCAAAGAACCAGCCAAGCACAG	7515	AQWAQRTSQAQ	12104	WAQRTSQ	0.271025	-0.17382
GS630	2927	GCCCAAAACGACAAAGGCATGAGCAGAGCACAG	7516	AQNDKGMSRAQ	12105	NDKGMSR	0.270989	-0.07517
GP130	2928	GCCCAACAGAATGATACTCGTAATTATGCACAG	7517	AQQNDTRNYAQ	12106	QNDTRNY	0.270955	-0.07273
SyS1174	2929	GCCCAAGGCGAAGTCGCCGGCAGACTCGCACAG	7518	AQGEVAGRLAQ	12107	GEVAGRL	0.270924	-0.02281
SyS1175	2930	GCCCAAACCACCACCAACACCGTCAGCGCACAG	7519	AQTTTNTVSAQ	12108	TTTNTVS	0.270848	-0.1792
SyS1176	2931	GCCCAACCGGTTATGTCGAATAAGGATGCACAG	7520	AQPVMSNKDAQ	12109	PVMSNKD	0.270622	-0.13314
GS632	2932	GCCCAAAACGGCGGCACCACCTTCATCGCACAG	7521	AQNGGTTFIAQ	12110	NGGTTFI	0.270379	-0.12521
SyS1177	2933	GCCCAAGTTTTGAAGACTACGGCTATTGCACAG	7522	AQVLKTTAIAQ	12111	VLKTTAI	0.270139	-0.19133
SyS1178	2934	GCCCAACCCCACGGCGTCGGCAGCGCCGCACAG	7523	AQPHGVGSAAQ	12112	PHGVGSA	0.27008	-0.03489
GS635	2935	GCCCAATCTAATGCGCATCCTCTGGCTGCACAG	7524	AQSNAHPLAAQ	12113	SNAHPLA	0.270011	-0.17958
SyS1179	2936	GCCCAAAAAAGCACCAGCCTCGACCCCGCACAG	7525	AQKSTSLDPAQ	12114	KSTSLDP	0.269961	-0.05312
SyS1180	2937	GCCCAATTCAACAAAACCAACGACATGGCACAG	7526	AQFNKTNDMAQ	12115	FNKTNDM	0.269911	0.039016
SyS1181	2938	GCCCAACACCAAACCAGCGAACTCAGAGCACAG	7527	AQHQTSELRAQ	12116	HQTSELR	0.269505	-0.13316
SyS1182	2939	GCCCAATGGGCCAAAGTCCTCGACAAAGCACAG	7528	AQWAKVLDKAQ	12117	WAKVLDK	0.269376	-0.18042
GS637	2940	GCCCAAATGAGCAGCAACACAAAAGCGCACAG	7529	AQMSSNNKSAQ	12118	MSSNNKS	0.26924	-0.10804
GS638	2941	GCCCAAGATGGTACTCATTTGAAGCTGGCACAG	7530	AQDGTHLKLAQ	12119	DGTHLKL	0.269216	-0.12903
SyS1183	2942	GCCCAAACGGTTATTAGTGATCAGAGGGCACAG	7531	AQTVISDQRAQ	12120	TVISDQR	0.269208	-0.23296
GS639	2943	GCCCAAATGCACAGCCAACTCCTCCCCGGCACAG	7532	AQMHSQLLPAQ	12121	MHSQLLP	0.269185	-0.16394
GP131	2944	GCCCAATCGTCTTATGGGACTGCGGCGGCACAG	7533	AQSSYGTAAAQ	12122	SSYGTAA	0.269078	-0.07134
SyS1184	2945	GCCCAAGTGTTGTCTACGATGGCTGTTGCACAG	7534	AQVLSTMAVAQ	12123	VLSTMAV	0.269054	-0.01394
GS640	2946	GCCCAATCGGCTTCGAATTTTGCGTCTGCACAG	7535	AQSASNFASAQ	12124	SASNFAS	0.268964	-0.14715
GS642	2947	GCCCAAAGTAAGGCTGGTCTGAGTGATGCACAG	7536	AQSKAGLSDAQ	12125	SKAGLSD	0.268902	-0.06703
GS643	2948	GCCCAAATTAATCGGATTGTTAGTGGGGCACAG	7537	AQINRIVSGAQ	12126	INRIVSG	0.268902	-0.0141
SyS1185	2949	GCCCAAAAACTCGACACCCCCGGCAAAGCACAG	7538	AQKLDTPGKAQ	12127	KLDTPGK	0.268816	-0.14647
GS644	2950	GCCCAAATGGATCGTATTGTTAAGATGGCACAG	7539	AQMDRIVKMAQ	12128	MDRIVKM	0.268718	-0.16125
SyS1186	2951	GCCCAAAGAGAAAGAAGCACCGACCGCGACAG	7540	AQRERSTDAAQ	12129	RERSTDA	0.26861	0.020477
GS645	2952	GCCCAACTCAGAGACAGCACCGGCCACGCACAG	7541	AQLRDSTGHAQ	12130	LRDSTGH	0.268608	-0.08258
SyS1187	2953	GCCCAAATGAGAGGCCAAGGCGTCCACGCACAG	7542	AQMRGQGVHAQ	12131	MRGQGVH	0.268511	0.013557

도면33ch

GS646	2954	GCCCAAAGCGCCCAAATGATCAGCCCGCACAG	7543	AQSAQMISPAQ	12132	SAQMISP	0.268303	-0.02348
GP132	2955	GCCCAATGGACGAATGGTGTTGCGAAGGCACAG	7544	AQWTNGVAKAQ	12133	WTNGVAK	0.268192	-0.06433
SyS1189	2956	GCCCAAACCGCCATCAGCATCCAAGTCGCACAG	7545	AQTAISIQVAQ	12134	TAISIQV	0.268061	-0.08809
SyS1190	2957	GCCCAACCGAGTGGTTCGCAGTCGCATGCACAG	7546	AQPSGSQSHAQ	12135	PSGSQSH	0.267911	-0.05043
GS647	2958	GCCCAAAACAGACTCACCCCCGGCAGCGCACAG	7547	AQNRLTPGSAQ	12136	NRLTPGS	0.267734	-0.10327
GS648	2959	GCCCAAATTGCTCTTGAGCATAGGAATGCACAG	7548	AQIALEHRNAQ	12137	IALEHRN	0.267665	-0.12712
SyS1191	2960	GCCCAACCCGCCAGAACCCCCCCCCAAGCACAG	7549	AQPARTPPQAQ	12138	PARTPPQ	0.267618	-0.20466
SyS1192	2961	GCCCAAATGGGCAAAAGCAACGGCGTCGCACAG	7550	AQMGKSNGVAQ	12139	MGKSNGV	0.267557	0.120243
GS650	2962	GCCCAACCCATCGTCAGAAGCACCAGCGCACAG	7551	AQPIVRSTSAQ	12140	PIVRSTS	0.267482	-0.16484
SyS1193	2963	GCCCAAGTCACCCAACTCAGCCCCAGAGCACAG	7552	AQVTQLSPRAQ	12141	VTQLSPR	0.267246	-0.09677
SyS1194	2964	GCCCAAAAAGCCCTCCTCCCCCTCACGCACAG	7553	AQKALLPLTAQ	12142	KALLPLT	0.267246	-0.2277
SyS1195	2965	GCCCAAAGCGGCAACAGCAGACTCCAAGCACAG	7554	AQSGNSRLQAQ	12143	SGNSRLQ	0.26719	0.05114
GS652	2966	GCCCAACGTAATCAGAGTGCGCCGCTTGCACAG	7555	AQRNQSAPLAQ	12144	RNQSAPL	0.267054	-0.15048
SyS1196	2967	GCCCAAAACCTCCAAAACATGATCCAAGCACAG	7556	AQNLQNMIQAQ	12145	NLQNMIQ	0.266969	-0.02887
SyS1197	2968	GCCCAATCGTGCTGATATGATAAGAGTCTTGCACAG	7557	AQSSYDKSLAQ	12146	SSYDKSL	0.266826	0.022044
GS653	2969	GCCCAAGTCCTCGCCAACCAACAAATCGCACAG	7558	AQVLANQQIAQ	12147	VLANQQI	0.266825	-0.06614
GS654	2970	GCCCAACGGACTACGAATGAGCCTACTGCACAG	7559	AQRTTNEPTAQ	12148	RTTNEPT	0.266797	-0.08947
SyS1198	2971	GCCCAAATCGTCAGCAACCAAATGAGCGCACAG	7560	AQIVSNQMSAQ	12149	IVSNQMS	0.266638	-0.17752
GS656	2972	GCCCAAAATGCGACGCATGCTAATGTTGCACAG	7561	AQNATHANVAQ	12150	NATHANV	0.266602	-0.17112
GS657	2973	GCCCAAAAGGGGAATGAGCCGTTGCGGGCACAG	7562	AQKGNEPLRAQ	12151	KGNEPLR	0.266575	-0.1338
SyS1199	2974	GCCCAACTCGGCACCTACCTCAGCCCCGCACAG	7563	AQLGTYLSPAQ	12152	LGTYLSP	0.26632	-0.1489
GS659	2975	GCCCAAACCAACGTCCTCCCCCTCCCCGCACAG	7564	AQTNVLPLPAQ	12153	TNVLPLP	0.266141	-0.11907
SyS1200	2976	GCCCAAAAGCTGTCGCATGAGCCTAGTGCACAG	7565	AQKLSHEPSAQ	12154	KLSHEPS	0.266136	-0.01973
GS660	2977	GCCCAATTCGACAAACAAAACCCCACCGCACAG	7566	AQFDKQNPTAQ	12155	FDKQNPT	0.266099	-0.1328
SyS1201	2978	GCCCAATTTGGGGGTCGTTATGAGAAGGCACAG	7567	AQFGGRYEKAQ	12156	FGGRYEK	0.265902	-0.05312
GS662	2979	GCCCAAACCGTCCAAAACCACACCAACGCACAG	7568	AQTVQNHTNAQ	12157	TVQNHTN	0.265878	-0.05463
SyS1204	2980	GCCCAACCGCTGAAGCCGATGCAGACGGCACAG	7569	AQPLKPMQTAQ	12158	PLKPMQT	0.265871	-0.21941
SyS1205	2981	GCCCAACAAGGCGAAACCAACCACAGAGCACAG	7570	AQQGETNHRAQ	12159	QGETNHR	0.265871	-0.21941
SyS1206	2982	GCCCAAGCCCACAGCAACATGGTCAACGCACAG	7571	AQAHSNMVNAQ	12160	AHSNMVN	0.26579	0.063826
GS663	2983	GCCCAAGTGAGTGCGAGTAGTAATAAGGCACAG	7572	AQVSASSNKAQ	12161	VSASSNK	0.265618	-0.1774
GS665	2984	GCCCAAACTAATCAGTCGAAGAATTTGCACAG	7573	AQTNQSKNFAQ	12162	TNQSKNF	0.2653	0.063276
GS666	2985	GCCCAAAAGATGAAGGATATGAGTATTGCACAG	7574	AQKMKDMSIAQ	12163	KMKDMSI	0.265261	-0.17291

도면33ci

SyS1209	2986	GCCCAACACCCCAGCGGCAGCACCCTCGCACAG	7575	AQHPSGSTLAQ	12164	HPSGSTL	0.265242	-0.09127
SyS1210	2987	GCCCAAATTAAGGATACTGTTTCTGGGGCACAG	7576	AQIKDTVSGAQ	12165	IKDTVSG	0.265119	-0.06613
GS668	2988	GCCCAAATGAACACCCTCACCAACGTCGCACAG	7577	AQMNTLTNVAQ	12166	MNTLTNV	0.264894	-0.09087
SyS1211	2989	GCCCAAACTGATAGTGCTCCGCATCCGGCACAG	7578	AQTDSAPHPAQ	12167	TDSAPHP	0.264791	-0.12222
SyS1212	2990	GCCCAACCCAGACCCGTCAGCAACGGCGCACAG	7579	AQPRPVSNGAQ	12168	PRPVSNG	0.264764	-0.02466
SyS1213	2991	GCCCAATCTGTTGATAGGCGGCCGCAGGCACAG	7580	AQSVDRRPQAQ	12169	SVDRRPQ	0.264728	-0.0604
GS670	2992	GCCCAAATGGATTCTCCTATTAGGAATGCACAG	7581	AQMDSPIRNAQ	12170	MDSPIRN	0.264655	-0.15766
GS671	2993	GCCCAAGCTACGCGTATGAGTATTCCTGCACAG	7582	AQATRMSIPAQ	12171	ATRMSIP	0.264401	-0.16932
SyS1214	2994	GCCCAAAACGTCCCCACCAGCCTCCCCGCACAG	7583	AQNVPTSLPAQ	12172	NVPTSLP	0.264383	0.102058
SyS1215	2995	GCCCAAAGCCTCAGAATCGAAAGCAAAGCACAG	7584	AQSLRIESKAQ	12173	SLRIESK	0.264383	-0.12829
GS673	2996	GCCCAAAACAGCGGCAACACCCTCGGCGCACAG	7585	AQNSGNTLGAQ	12174	NSGNTLG	0.264155	-0.1119
SyS1216	2997	GCCCAACGGTTGGATCATGCTAGTATTGCACAG	7586	AQRLDHASIAQ	12175	RLDHASI	0.264068	-0.07051
SyS1217	2998	GCCCAAAGCCACCTCGTCGTCAGCGCCGCACAG	7587	AQSHLVVSAAQ	12176	SHLVVSA	0.263941	-0.22064
SyS1218	2999	GCCCAACCCGCCAGCCCCAGAAGCCACGCACAG	7588	AQPASPRSHAQ	12177	PASPRSH	0.263752	-0.19618
SyS1219	3000	GCCCAAAACCACACCCTCGTCCCCCCGCACAG	7589	AQNHTLVPPAQ	12178	NHTLVPP	0.263502	-0.06767
SyS1220	3001	GCCCAAATGCAGATGACGGGGACTGCTGCACAG	7590	AQMQMTGTAAQ	12179	MQMTGTA	0.26338	0.109806
SyS1221	3002	GCCCAAAATACTCAGGCGAATCCGAGGGCACAG	7591	AQNTQANPRAQ	12180	NTQANPR	0.263187	0.026893
GS675	3003	GCCCAAACCAGAGACCTCAACGCCATCGCACAG	7592	AQTRDLNAIAQ	12181	TRDLNAI	0.263161	-0.06205
SyS1222	3004	GCCCAAACCGACGCCAGCAGCCCCTTCGCACAG	7593	AQTDASSPFAQ	12182	TDASSPF	0.263114	-0.20224
SyS1223	3005	GCCCAAGCTGATCAGAGGCAGCCGAAGGCACAG	7594	AQADQRQPKAQ	12183	ADQRQPK	0.263076	-0.0037
SyS1224	3006	GCCCAAGCCGTCAACCCCAACTACGCCGCACAG	7595	AQAVNPNYAAQ	12184	AVNPNYA	0.262974	-0.0907
SyS1225	3007	GCCCAACTGACTGCTACGAATGTTCGGGCACAG	7596	AQLTATNVRAQ	12185	LTATNVR	0.262845	0.030087
SyS1226	3008	GCCCAATTGACTGCGTCTACTTATTCGGCACAG	7597	AQLTASTYSAQ	12186	LTASTYS	0.262777	-0.16344
SyS1227	3009	GCCCAAGGGTCGCGTGATAATTCTGTGGCACAG	7598	AQGSRDNSVAQ	12187	GSRDNSV	0.262777	-0.21921
SyS1228	3010	GCCCAAACTGATACTCAGAATCGGCTTGCACAG	7599	AQTDTQNRLAQ	12188	TDTQNRL	0.262725	-0.15534
GS676	3011	GCCCAAAATAGTACGGTTAATACGGGTGCACAG	7600	AQNSTVNTGAQ	12189	NSTVNTG	0.262505	-0.14811
SyS1229	3012	GCCCAATTGTCTCATGCGATGCGTTCTGCACAG	7601	AQLSHAMRSAQ	12190	LSHAMRS	0.262482	-0.18042
SyS1230	3013	GCCCAACGGCTGCCGATGACTACTATGGCACAG	7602	AQRLPMITMAQ	12191	RLPMITM	0.262441	-0.04775
SyS1231	3014	GCCCAACTCTACCACGAAAGCCAAACCGCACAG	7603	AQLYHESQTAQ	12192	LYHESQT	0.262338	-0.18614
SyS1232	3015	GCCCAAATTTTGCATCAGAGTTCGACTGCACAG	7604	AQILHQSSTAQ	12193	ILHQSST	0.262234	0.103448
GS677	3016	GCCCAAACCAGCCTCGCCACCCAAACCGCACAG	7605	AQTSLATQTAQ	12194	TSLATQT	0.262228	-0.11907
GS678	3017	GCCCAAAGAACCCCCCACCCTCACCGTCGCACAG	7606	AQRTPTLTVAQ	12195	RTPTLTV	0.262188	-0.1338

도면33cj

GS679	3018	GCCCAAGCTACGCGTGAGAGTCGTACGGCACAG	7607	AQATRESRTAQ	12196	ATRESRT	0.262188	-0.1338
SyS1233	3019	GCCCAATTGTCTGAGAGTCTGCGGATTGCACAG	7608	AQLSESLRIAQ	12197	LSESLRI	0.262085	-0.13071
SyS1234	3020	GCCCAAAGCGTCACCGGCGGCATGGTCGCACAG	7609	AQSVTGGMVAQ	12198	SVTGGMV	0.261982	0.275265
SyS1235	3021	GCCCAACCCAGAACCAGCGACAGCAACGCACAG	7610	AQPRTSDSNAQ	12199	PRTSDSN	0.261751	0.100471
GS680	3022	GCCCAAGTTCATTCTACGGTTACGTCGGCACAG	7611	AQVHSTVTSAQ	12200	VHSTVTS	0.261737	-0.09477
SyS1236	3023	GCCCAAGGCACCAACATGAACCACCTCGCACAG	7612	AQGTNMNHLAQ	12201	GTNMNHL	0.261685	-0.07009
SyS1237	3024	GCCCAAATGAAGGCTGAGTTGTATGCGGCACAG	7613	AQMKAELYAAQ	12202	MKAELYA	0.261535	-0.02039
GS681	3025	GCCCAACTCAGAAGCCCCAGCGTCGACGCACAG	7614	AQLRSPSVDAQ	12203	LRSPSVD	0.261426	0.021615
SyS1238	3026	GCCCAAACCAACAGCCCCCAATCCCCGCACAG	7615	AQTNSPQFPAQ	12204	TNSPQFP	0.261388	0.019965
TS158	3027	GCCCAAAATAATTCGCTTAGGTCGAATGCACAG	7616	AQNNSLRSNAQ	12205	NNSLRSN	0.261381	-0.10273
GS682	3028	GCCCAAGACAGCCACATGGGCAAATACGCACAG	7617	AQDSHMGKYAQ	12206	DSHMGKY	0.261318	-0.11556
SyS1239	3029	GCCCAAGTTAATTCGATGACGCCGCGGGCACAG	7618	AQVNSMTPRAQ	12207	VNSMTPR	0.261313	0.013095
SyS1240	3030	GCCCAACTCGCCCCCATCAGCCTCAACGCACAG	7619	AQLAPISLNAQ	12208	LAPISLN	0.261307	-0.03736
SyS1241	3031	GCCCAAAATATGCCGAGTATTATGCAGGCACAG	7620	AQNMPSIMQAQ	12209	NMPSIMQ	0.261198	-0.19254
TS159	3032	GCCCAAGGGAATATGATTAAGGTGGCGGCACAG	7621	AQGNMIKVAAQ	12210	GNMIKVA	0.261132	-0.28624
SyS1242	3033	GCCCAAACCGGCGTCAGCCTCCAAGTCGCACAG	7622	AQTGVSLQVAQ	12211	TGVSLQV	0.261129	-0.23133
SyS1243	3034	GCCCAACCTCAGTTTAATACTGCGTCGGCACAG	7623	AQPQFNTASAQ	12212	PQFNTAS	0.261076	-0.14283
SyS1244	3035	GCCCAAACGGAGGCGTATAGGAATACTGCACAG	7624	AQTEAYRNTAQ	12213	TEAYRNT	0.261	-0.18163
SyS1245	3036	GCCCAACTTATGAAGGCTGATACTGTGGCACAG	7625	AQLMKADTVAQ	12214	LMKADTV	0.260947	-0.04342
GS683	3037	GCCCAAAATCATAAGGAGTTTATGCTTGCACAG	7626	AQNHKEFMLAQ	12215	NHKEFML	0.260914	-0.14906
GS684	3038	GCCCAATTGAATGGGACTTTGACTGTGGCACAG	7627	AQLNGTLTVAQ	12216	LNGTLTV	0.26088	-0.1462
GS686	3039	GCCCAAACTGCGAAGATTTTGACGATGGCACAG	7628	AQTAKILTMAQ	12217	TAKILTM	0.260811	-0.17112
SyS1246	3040	GCCCAACTCAGAGACAGCCTCCCCGTCGCACAG	7629	AQLRDSLPVAQ	12218	LRDSLPV	0.260626	0.104246
SyS1247	3041	GCCCAACTCAAAGGCGGCGACAGCTGGGCACAG	7630	AQLKGGDSWAQ	12219	LKGGDSW	0.260615	-0.12208
GS687	3042	GCCCAAAAAACCGTCGACATCATGGGCGCACAG	7631	AQKTVDIMGAQ	12220	KTVDIMG	0.260533	-0.09485
GS688	3043	GCCCAACTCAACATGGGCCAAATGAAAGCACAG	7632	AQLNMGQMKAQ	12221	LNMGQMK	0.260458	-0.09755
SyS1248	3044	GCCCAAAGCGTCCCCAGCCTCGACAGAGCACAG	7633	AQSVPSLDRAQ	12222	SVPSLDR	0.260448	-0.05185
SyS1249	3045	GCCCAACAGCTGTTGGGGACGAGTAAGGCACAG	7634	AQQLLGTSKAQ	12223	QLLGTSK	0.260344	-0.23296
SyS1250	3046	GCCCAAATGAATCCTAAGCATGGTCTGGCACAG	7635	AQMNPKHGLAQ	12224	MNPKHGL	0.260327	-0.18769
SyS1251	3047	GCCCAATCTCCGGAGGGTTCTCTGAAGGCACAG	7636	AQSPEGSLKAQ	12225	SPEGSLK	0.260327	-0.18769
SyS1252	3048	GCCCAAGCGAATATGCCGAATTCTCGGGCACAG	7637	AQANMPNSRAQ	12226	ANMPNSR	0.260318	-0.08035
SyS1253	3049	GCCCAAGCCTACATCAGCAGCGGCGTCGCACAG	7638	AQAYISSGVAQ	12227	AYISSGV	0.260028	-0.08758

도면33ck

GS690	3050	GCCCAAGAAAGAGGCAGCCAAGCCAACGCACAG	7639	AQERGSQANAQ	12228	ERGSQAN	0.260015	-0.16304
GS691	3051	GCCCAAGGTCATGATAGGCTGAGTCCGGCACAG	7640	AQGHDRLSPAQ	12229	GHDRLSP	0.259905	-0.06434
GS692	3052	GCCCAAACGAGTAATGTGACTGGTACTGCACAG	7641	AQTSNVTGTAQ	12230	TSNVTGT	0.259758	-0.10244
GS693	3053	GCCCAACTCACCCACAACGTCGGCGTCGCACAG	7642	AQLTHNVGVAQ	12231	LTHNVGV	0.259654	-0.0842
GS694	3054	GCCCAAAGGGAGGATGGGGTGGCTAAGGCACAG	7643	AQREDGVAKAQ	12232	REDGVAK	0.2595	-0.1774
SyS1254	3055	GCCCAACCCGCCGACGGCTACAAACTCGCACAG	7644	AQPADGYKLAQ	12233	PADGYKL	0.259383	0.021493
GS697	3056	GCCCAACAACTCGACGCCACCAGAGCCGCACAG	7645	AQQLDATRAAQ	12234	QLDATRA	0.259246	-0.02679
GS698	3057	GCCCAAGTGACTGGTATGACGACTCGTGCACAG	7646	AQVTGMTTRAQ	12235	VTGMTTR	0.259241	-0.1747
SyS1255	3058	GCCCAATCGGATAGTCGGACGTATGAGGCACAG	7647	AQSDSRTYEAQ	12236	SDSRTYE	0.25915	-0.12829
SyS1259	3059	GCCCAAGTTGAGCCGCTGAAGCCGGATGCACAG	7648	AQVEPLKPDAQ	12237	VEPLKPD	0.258734	-0.17799
SyS1260	3060	GCCCAAGGCGTCCTCGCCAGCAACAGAGCACAG	7649	AQGVLASNRAQ	12238	GVLASNR	0.258676	-0.15411
SyS1262	3061	GCCCAAATGGGCGAAAGAATGAGCATCGCACAG	7650	AQMGERMSIAQ	12239	MGERMSI	0.258443	-0.05797
SyS1263	3062	GCCCAATTTACGAAGACTGAGGATTTGGCACAG	7651	AQFTKTEDLAQ	12240	FTKTEDL	0.258323	-0.0551
SyS1264	3063	GCCCAAGTCAAAAACACCGAACTCCTCGCACAG	7652	AQVKNTELLAQ	12241	VKNTELL	0.258283	0.073327
GS700	3064	GCCCAAACTGTTACGAGTACGGTGGTGGCACAG	7653	AQTVTSTVVAQ	12242	TVTSTVV	0.258274	-0.18637
SyS1267	3065	GCCCAAGCCAAATACGGCGACCCCACCGCACAG	7654	AQAKYGDPTAQ	12243	AKYGDPT	0.257892	0.222899
GS701	3066	GCCCAAACCAGCGACAGACTCCTCGGCGCACAG	7655	AQTSDRLLGAQ	12244	TSDRLLG	0.257859	-0.13666
GS702	3067	GCCCAAGCTGTTGGGAATACTAAGATGGCACAG	7656	AQAVGNTKMAQ	12245	AVGNTKM	0.25783	-0.13952
GS704	3068	GCCCAACAGACGTATAATAAGATGGATGCACAG	7657	AQQTYNKMDAQ	12246	QTYNKMD	0.257666	-0.05596
GS706	3069	GCCCAAGCGTGGGCTAGTCAGTCTTCGGCACAG	7658	AQAWASQSSAQ	12247	AWASQSS	0.25724	-0.14779
SyS1269	3070	GCCCAAAATGCGTTTCTTACTGGTGGGGCACAG	7659	AQNAFLTGGAQ	12248	NAFLTGG	0.257171	-0.20103
SyS1270	3071	GCCCAAAGCATCGGCGACAAATACACCGCACAG	7660	AQSIGDKYTAQ	12249	SIGDKYT	0.257047	-0.09127
GS707	3072	GCCCAATCGAATCATCATCATACTGGGGCACAG	7661	AQSNHHHTGAQ	12250	SNHHHTG	0.256757	-0.11758
GS708	3073	GCCCAAATCACCAACAAACCCATGACCGCACAG	7662	AQITNKPMTAQ	12251	ITNKPMT	0.256656	-0.13702
SS84	3074	GCCCAACTCAGCGGCCAAGTCAGCAACGCACAG	7663	AQLSGQVSNAQ	12252	LSGQVSN	0.256425	-0.35654
GS709	3075	GCCCAAAATAGTATGTCGGGGCATTTGGCACAG	7664	AQNSMSGHLAQ	12253	NSMSGHL	0.256275	-0.14334
SyS1271	3076	GCCCAACCTGCGGTGCATGGTTATGCTGCACAG	7665	AQPAVHGYAAQ	12254	PAVHGYA	0.256274	-0.20709
GS710	3077	GCCCAACTCATGAGAACCAAACAACCCGCACAG	7666	AQLMRTKQPAQ	12255	LMRTKQP	0.256142	-0.14906
SyS1272	3078	GCCCAAAGCAGCCTCGCCGTCAACAAAGCACAG	7667	AQSSLAVNKAQ	12256	SSLAVNK	0.256141	-0.07737
SyS1273	3079	GCCCAAAATACGCAGTCGGAGCCTCGTGCACAG	7668	AQNTQSEPRAQ	12257	NTQSEPR	0.2561	0.127962
SyS1275	3080	GCCCAAGATCATCTGGTTAGTGTTCCTGCACAG	7669	AQDHLVSVPAQ	12258	DHLVSVP	0.256044	-0.19107
SyS1276	3081	GCCCAATGGGCCACCAGCACCCACGACGCACAG	7670	AQWATSTHDAQ	12259	WATSTHD	0.256044	-0.18121

도면33c1

SyS1277	3082	GCCCAACCCCAACAACAACCCATCGGCGCACAG	7671	AQPQQQPIGAQ	12260	PQQQPIG	0.256044	-0.21571
SyS1278	3083	GCCCAAAGCCTCAGCACCCACAGCGACGCACAG	7672	AQSLSTHSDAQ	12261	SLSTHSD	0.255878	-0.0507
SyS1279	3084	GCCCAAGGCAGCATGGCCGCCAGAAGCGCACAG	7673	AQGSMAARSAQ	12262	GSMAARS	0.2558	-0.12101
GS711	3085	GCCCAAGCCCCCGGCATGACCGCCAGAGCACAG	7674	AQAPGMTARAQ	12263	APGMTAR	0.255662	-0.16623
SyS1280	3086	GCCCAAGTCCTCGCCAACATGACCGCCGCACAG	7675	AQVLANMTAAQ	12264	VLANMTA	0.255612	0.070331
SyS1281	3087	GCCCAACTCACCAAACAAGAAAGCGCCGCACAG	7676	AQLTKQESAAQ	12265	LTKQESA	0.255528	-0.09434
SyS1282	3088	GCCCAAGGCGCCAACAGCGGCGGCGTCGCACAG	7677	AQGANSGGVAQ	12266	GANSGGV	0.255503	0.080739
SyS1283	3089	GCCCAACAGAGTGAGCCGAAGCGTCCTGCACAG	7678	AQQSEPKRPAQ	12267	QSEPKRP	0.255307	-0.11616
SyS1284	3090	GCCCAAGTCCACGGCGAAAGAAGCGTCGCACAG	7679	AQVHGERSVAQ	12268	VHGERSV	0.255229	0.018407
SyS1285	3091	GCCCAAGCGGCATCAGACTGCTGCTTCTGCACAG	7680	AQAHQTAASAQ	12269	AHQTAAS	0.255147	-0.17557
GP133	3092	GCCCAAGTTCGGGAGATGCAGACGGCGGCGCACAG	7681	AQVREMQTAAQ	12270	VREMQTA	0.255121	-0.07329
GS713	3093	GCCCAAGTCGCCCCCAGCGCCCTCCAGCACAG	7682	AQVAPSALHAQ	12271	VAPSALH	0.255035	-0.16842
SyS1286	3094	GCCCAAAGTGTTGGTCATCATAATATGGCACAG	7683	AQSVGHHNMAQ	12272	SVGHHNM	0.254967	-0.18648
SyS1287	3095	GCCCAATTCCTCACCCAAGGCGACGTCGCACAG	7684	AQFLTQGDVAQ	12273	FLTQGDV	0.254933	-0.11838
SyS1288	3096	GCCCAATTCAGCACCCAATTCCAACACGCACAG	7685	AQFSTQFQHAQ	12274	FSTQFQH	0.254806	-0.14302
GP134	3097	GCCCAACAGAATACGACGCGGTCGAATGCACAG	7686	AQQNTTRSNAQ	12275	QNTTRSN	0.254756	0.347693
SyS1289	3098	GCCCAACCCGCCGTCACCAGCATCGCCGCACAG	7687	AQPAVTSIAAQ	12276	PAVTSIA	0.254579	-0.07092
SyS1290	3099	GCCCAAGCCAGCACCAACACCTACGTCGCACAG	7688	AQASTNTYVAQ	12277	ASTNTYV	0.254465	0.185493
SyS1291	3100	GCCCAATCGACGGCTACGCCTACGTCGGCACAG	7689	AQSTATPTSAQ	12278	STATPTS	0.254392	-0.19723
GS714	3101	GCCCAACATTTTAATAGGACGTCGCCTGCACAG	7690	AQHFNRTSPAQ	12279	HFNRTSP	0.254355	-0.04208
SyS1294	3102	GCCCAAAGCGTCGCCGGCATGCTCCCCGCACAG	7691	AQSVAGMLPAQ	12280	SVAGMLP	0.254355	-0.14405
SyS1295	3103	GCCCAACCTATGAGTTCTGAGAGTAGTGCACAG	7692	AQPMSSESSAQ	12281	PMSSESS	0.25434	-0.20216
SyS1296	3104	GCCCAAAGCCTTGCCAGCACCACCGTCGCACAG	7693	AQSLASTTVAQ	12282	SLASTTV	0.254318	-0.00463
SyS1297	3105	GCCCAAACTTCTACTCCTGCTCAGGTTGCACAG	7694	AQTSTPAQVAQ	12283	TSTPAQV	0.254198	0.05736
SyS1298	3106	GCCCAAAGTCTGACGGCGCAGCAGCCTGCACAG	7695	AQSLTAQQPAQ	12284	SLTAQQP	0.254112	-0.01576
GS715	3107	GCCCAAAGTGGTCGTGTGCCTGTGGCTGCACAG	7696	AQSGRVPVAAQ	12285	SGRVPVA	0.254016	-0.18816
GS716	3108	GCCCAACTCGACGCCGCCCAAAAGCCTCGCACAG	7697	AQLDAAKSLAQ	12286	LDAAKSL	0.253973	-0.14151
GS717	3109	GCCCAAAACTTCGCCAACAAAAACGTCGCACAG	7698	AQNFANKNVAQ	12287	NFANKNV	0.25395	0.011201
GS718	3110	GCCCAAGGCCCCCGCCAGCGTCACCCCCGCACAG	7699	AQGPASVTPAQ	12288	GPASVTP	0.253945	-0.05651
SyS1299	3111	GCCCAATATTCTCGGGAGGCGACGAATGCACAG	7700	AQYSREATNAQ	12289	YSREATN	0.253828	0.015982
SyS1300	3112	GCCCAAACCGGCAGCAGCTTCGCCATGGCACAG	7701	AQTGSSFAMAQ	12290	TGSSFAM	0.25367	-0.1344
SyS1301	3113	GCCCAAGGGGATTAAGGGGGATCCGGTTGCACAG	7702	AQGIKGDPVAQ	12291	GIKGDPV	0.253653	-0.05918

도면33cm

SyS1302	3114	GCCCAAGTCACCAGCACCAGCCACGCCGCACAG	7703	AQVTSTSHAAQ	12292	VTSTSHA	0.253643	0.149339
SyS1303	3115	GCCCAAACCAGCCAAAACAACCTCAGAGCACAG	7704	AQTSQNNLRAQ	12293	TSQNNLR	0.253347	-0.04388
GS719	3116	GCCCAAATGAGACAAGAAGGCCTCAGCGCACAG	7705	AQMRQEGLSAQ	12294	MRQEGLS	0.253321	-0.14238
SyS1304	3117	GCCCAACTCAACCTCAACGCCATCGCCGCACAG	7706	AQLNLNAIAAQ	12295	LNLNAIA	0.253187	-0.10853
SyS1305	3118	GCCCAAAGTAAGAATGAGGGGCCTACTGCACAG	7707	AQSKNEGPTAQ	12296	SKNEGPT	0.253158	-0.05578
SyS1306	3119	GCCCAAGATTCTCGTTCTACGACTAATGCACAG	7708	AQDSRSTTNAQ	12297	DSRSTTN	0.252881	0.072962
SyS1307	3120	GCCCAAAGCACCGGCGGACGCCCTCAGAGCACAG	7709	AQSTGDALRAQ	12298	STGDALR	0.252785	0.062357
SyS1308	3121	GCCCAAATTAATAAGCCTGGTACGCCTGCACAG	7710	AQINKPGTPAQ	12299	INKPGTP	0.25278	0.014889
SyS1309	3122	GCCCAAGTTTCGGCTCCTTTGAATATTGCACAG	7711	AQVSAPLNIAQ	12300	VSAPLNI	0.252695	-0.23618
GP135	3123	GCCCAAGTTTCTTTGGGTTCGCTTGCGGCACAG	7712	AQVSLGSLAAQ	12301	VSLGSLA	0.252596	0.083569
SyS1310	3124	GCCCAACTCAACCACATCAACGAAAAAGCACAG	7713	AQLNHINEKAQ	12302	LNHINEK	0.252494	-0.00166
SyS1311	3125	GCCCAAAAGTCGGTGACGATTCTTTCGGCACAG	7714	AQKSVTILSAQ	12303	KSVTILS	0.252487	-0.19375
GS722	3126	GCCCAATCTAATGTGTCGTCGCTTGTTGCACAG	7715	AQSNVSSLVAQ	12304	SNVSSLV	0.252289	-0.12894
GS723	3127	GCCCAATTTTCGCAGACTGTTGGGGGGGGCACAG	7716	AQFSQTVGGAQ	12305	FSQTVGG	0.252132	-0.0379
GS724	3128	GCCCAACGTCCGTCTATTACGCATGATGCACAG	7717	AQRPSITHDAQ	12306	RPSITHD	0.252097	-0.13761
SyS1314	3129	GCCCAAAGACAAGAAAGCACCACCCTCGCACAG	7718	AQRQESTTLAQ	12307	RQESTTL	0.252004	-0.07737
SyS1315	3130	GCCCAAGGGCCTTATGTGACTCCTCAGGCACAG	7719	AQGPYVTPQAQ	12308	GPYVTPQ	0.251887	0.023256
SyS1316	3131	GCCCAAAACGGCCTCGTCACCACCGCCGCACAG	7720	AQNGLVTTAAQ	12309	NGLVTTA	0.251887	-0.01918
SyS1317	3132	GCCCAACACGCCGGGCAACGTCCCCGGCGCACAG	7721	AQHAGNVPGAQ	12310	HAGNVPG	0.251887	-0.1889
SyS1318	3133	GCCCAACCCATGGGCAACAACCTCGTCGCACAG	7722	AQPMGNNLVAQ	12311	PMGNNLV	0.251827	-0.23296
SyS1319	3134	GCCCAAGTCTACAACGACAGAAGCCACGCACAG	7723	AQVYNDRSHAQ	12312	VYNDRSH	0.251746	-0.03526
GS725	3135	GCCCAAACCCACAAAGAAAGCGGCTACGCACAG	7724	AQTHKESGYAQ	12313	THKESGY	0.251703	-0.06465
SyS1320	3136	GCCCAAGGCATGAACAGCGTCCTCCTCGCACAG	7725	AQGMNSVLLAQ	12314	GMNSVLL	0.25156	-0.15738
GS726	3137	GCCCAATACCTCGAAAACCAATACAGCGCACAG	7726	AQYLENQYSAQ	12315	YLENQYS	0.251521	-0.17291
GP137	3138	GCCCAATCTATTACGTCGAGGCCTAATGCACAG	7727	AQSITSRPNAQ	12316	SITSRPN	0.251405	-0.02611
GS727	3139	GCCCAAAGCCACCAAAACACCGCCAGAGCACAG	7728	AQSHQNTARAQ	12317	SHQNTAR	0.251208	-0.15138
GS728	3140	GCCCAACGTTTGGTTCAGTCTGCGGAGGCACAG	7729	AQRLVQSAEAQ	12318	RLVQSAE	0.251117	-0.12998
SyS1321	3141	GCCCAATACCCCAAAAGCGCCACCAACGCACAG	7730	AQYPKSATNAQ	12319	YPKSATN	0.250939	-0.04706
SyS1322	3142	GCCCAAATTAATTCTTCTCCGCCGCTGGCACAG	7731	AQINSSPPLAQ	12320	INSSPPL	0.250894	-0.20462
GS729	3143	GCCCAAACTCAGAATCTGGCGGGTGGTGCACAG	7732	AQTQNLAGGAQ	12321	TQNLAGG	0.250713	-0.13682
SyS1323	3144	GCCCAATTCCAAGTCGCCAAAGACAGAGCACAG	7733	AQFQVAKDRAQ	12322	FQVAKDR	0.250692	0.020536
GS731	3145	GCCCAACGGCTGAGTGGTAATCAGAATGCACAG	7734	AQRLSGNQNAQ	12323	RLSGNQN	0.250664	0.025382

도면33cn

SyS1324	3146	GCCCAAACTACGGATCGGGTGTCGCATGCACAG	7735	AQTTDRVSHAQ	12324	TTDRVSH	0.250526	0.007999
SyS1325	3147	GCCCAAACTGCTACTGTTGACGGCTCGGGCACAG	7736	AQTATVTARAQ	12325	TATVTAR	0.250464	-0.16039
SyS1326	3148	GCCCAAACTCAGCATGATGAGCGACAAAGCACAG	7737	AQLSMMSDKAQ	12326	LSMMSDK	0.250432	-0.15808
GS733	3149	GCCCAAACTCTGATTCAGACTAGTCCGGCACAG	7738	AQTLIQTSPAQ	12327	TLIQTSP	0.250263	-0.14429
SyS1327	3150	GCCCAACCGATGCATATTACGAATGCTGCACAG	7739	AQPMHITNAAQ	12328	PMHITNA	0.250148	-0.22434
GS734	3151	GCCCAAACCGTCGGCCAACCCGCCCACGCACAG	7740	AQTVGQPAHAQ	12329	TVGQPAH	0.25007	-0.08134
SyS1328	3152	GCCCAAGAAGACAAAGACGTCAGACTCGCACAG	7741	AQEDKDVRLAQ	12330	EDKDVRL	0.249926	-0.22926
GS735	3153	GCCCAAATGAAGGTTGCGCAGCCTATGGCACAG	7742	AQMKVAQPMAQ	12331	MKVAQPM	0.249854	-0.12039
SyS1329	3154	GCCCAAGTGGGGGTGCCTAATCTGCCGGCACAG	7743	AQVGVPNLPAQ	12332	VGVPNLP	0.24985	-0.07803
SyS1330	3155	GCCCAAGCGCCCGCTGAGTAGTGATCCGGCACAG	7744	AQAPLSSDPAQ	12333	APLSSDP	0.249809	-0.13798
GS737	3156	GCCCAATTCCTCCACGCCAGCGTCGACGCACAG	7745	AQFLHASVDAQ	12334	FLHASVD	0.249673	-0.17919
GS738	3157	GCCCAACCTACTGTGGGGACGTATATTGCACAG	7746	AQPTVGTYIAQ	12335	PTVGTYI	0.249673	-0.1765
GS739	3158	GCCCAAGAGCCTCTGCATAGGAATTCTGCACAG	7747	AQEPLHRNSAQ	12336	EPLHRNS	0.249673	-0.1442
GS740	3159	GCCCAAGCCAGCACCGTCACCGTCGAAGCACAG	7748	AQASTVTVEAQ	12337	ASTVTVE	0.249673	-0.18727
GS741	3160	GCCCAAGCCCCCAGAATCGACAACGCCGCACAG	7749	AQAPRIDNAAQ	12338	APRIDNA	0.249673	-0.05537
GS744	3161	GCCCAATATCGTGATTCGGCTGCTCCTGCACAG	7750	AQYRDSAAPAQ	12339	YRDSAAP	0.249343	-0.13666
SyS1332	3162	GCCCAACTCACCCAAAACGCCAGCGTCGCACAG	7751	AQLTQNASVAQ	12340	LTQNASV	0.249317	-0.0022
SyS1335	3163	GCCCAATTGAGTGCTCGTTTGACGACTGCACAG	7752	AQLSARLTTAQ	12341	LSARLTT	0.24914	-0.09677
SS87	3164	GCCCAAAACGGCAAAAGCAGCGACAAAGCACAG	7753	AQNGKSSDKAQ	12342	NGKSSDK	0.249118	-0.28649
SyS1336	3165	GCCCAAGCGCTGGTGAAGGATACTACTGCACAG	7754	AQALVKDTTAQ	12343	ALVKDTT	0.248993	-0.14405
SyS1337	3166	GCCCAAATGCTCGTCACCACCGGCGAAGCACAG	7755	AQMLVTTGEAQ	12344	MLVTTGE	0.248845	-0.13932
SyS1338	3167	GCCCAAAGCGGCAACCCCAGCTACGCCGCACAG	7756	AQSGNPSYAAQ	12345	SGNPSYA	0.248803	-0.02317
SyS1339	3168	GCCCAAGTCATCACCGGCGGCATGAGCGCACAG	7757	AQVITGGMSAQ	12346	VITGGMS	0.248801	0.075387
SyS1340	3169	GCCCAACTCGAACCCAACGTCCAAACCGCACAG	7758	AQLEPNVQTAQ	12347	LEPNVQT	0.248763	-0.19133
SyS1341	3170	GCCCAAAGATTCAGCGAAGTCACCCCCGCACAG	7759	AQRFSEVTPAQ	12348	RFSEVTP	0.248692	0.100649
GS745	3171	GCCCAAGATCCGGGGGAAGGCGAGTCTGGCACAG	7760	AQDPGKASLAQ	12349	DPGKASL	0.248503	-0.07157
SyS1343	3172	GCCCAAATCGCCCCACGAAAGCACCGACGCACAG	7761	AQIAHESTDAQ	12350	IAHESTD	0.248487	-0.15595
GS748	3173	GCCCAATATCCTAGTAATTCTATGCATGCACAG	7762	AQYPSNSMHAQ	12351	YPSNSMH	0.248436	-0.05512
SyS1345	3174	GCCCAAAGCACCACCCCCCCCAGCGGCGCACAG	7763	AQSTTPPSGAQ	12352	STTPPSG	0.248285	-0.18648
SyS1346	3175	GCCCAAGTTGAGCAGAATTCTAAGAATGCACAG	7764	AQVEQNSKNAQ	12353	VEQNSKN	0.248285	-0.18648
GS749	3176	GCCCAAACGATTGCGGGTCGGCTTGTGGCACAG	7765	AQTIAGRLVAQ	12354	TIAGRLV	0.248255	-0.15097
GS750	3177	GCCCAAGCTAGGCATACGGGTGAGATGGCACAG	7766	AQARHTGEMAQ	12355	ARHTGEM	0.24798	-0.11854

도면33co

GS751	3178	GCCCAACAGCATCTGCCGAATCATATTGCACAG	7767	AQQHLPNHIAQ	12356	QHLPNHI	0.2479	-0.16932
GS752	3179	GCCCAAACTACTATGGGGACTTATCCTGCACAG	7768	AQTTMGTYPAQ	12357	TTMGTYP	0.247856	-0.17201
SyS1347	3180	GCCCAAACCGAAAGCGTCATGCCCAGAGCACAG	7769	AQTESVMPRAQ	12358	TESVMPR	0.247776	-0.09369
SyS1348	3181	GCCCAAGGCGCCAAACCCAGCAACGACGCACAG	7770	AQGAKPSNDAQ	12359	GAKPSND	0.247643	0.125092
SyS1349	3182	GCCCAAGCCGTCAGCAGCGACATGAGCGCACAG	7771	AQAVSSDMSAQ	12360	AVSSDMS	0.2476	-0.16102
SyS1350	3183	GCCCAACACAGCCCCCCAACTCGGCGGCGCACAG	7772	AQHSPQLGGAQ	12361	HSPQLGG	0.247571	-0.12465
SyS1351	3184	GCCCAATTGTATACTAATCCTAATACTGCACAG	7773	AQLYTNPNTAQ	12362	LYTNPNT	0.247527	-0.17382
SyS1352	3185	GCCCAAACCGTCGCCCTCAACATGGCCGCACAG	7774	AQTVALNMAAQ	12363	TVALNMA	0.247496	-0.02465
GS754	3186	GCCCAACAGCGGGTTCCTGCTTATCAGGCACAG	7775	AQQRVPAYQAQ	12364	QRVPAYQ	0.247403	-0.14564
SyS1353	3187	GCCCAAAGTGATGTTTCTAAGGTTTATGCACAG	7776	AQSDVSKVYAQ	12365	SDVSKVY	0.247354	-0.11668
SyS1354	3188	GCCCAATCGAATACGGGGGAGCAGGTTGCACAG	7777	AQSNTGFEQVAQ	12366	SNTGFEQV	0.247184	-0.19254
SyS1355	3189	GCCCAATTCACCACCGGCCTCAACCACGCACAG	7778	AQFTTGLNHAQ	12367	FTTGLNH	0.247139	-0.09374
SyS1356	3190	GCCCAAAACGACACCCAATACAAACACGCACAG	7779	AQNDTQYKHAQ	12368	NDTQYKH	0.247109	-0.10786
SyS1357	3191	GCCCAAGTCCACGACGTCAAAGGCATCGCACAG	7780	AQVHDVKGIAQ	12369	VHDVKGI	0.247033	0.063895
GS756	3192	GCCCAATATGGTGGTAGGGATAGTTATGCACAG	7781	AQYGGRDSYAQ	12370	YGGRDSY	0.246964	-0.09066
SyS1358	3193	GCCCAACATAGTACTGCGACTACTCATGCACAG	7782	AQHSTATTHAQ	12371	HSTATTH	0.246866	-0.15132
SyS1360	3194	GCCCAACCTTCGCCTACTACTCGGACTGCACAG	7783	AQPSPTTRTAQ	12372	PSPTTRT	0.246802	-0.21694
SyS1361	3195	GCCCAAGGGCATGCGGAGGCGGCGATGGCACAG	7784	AQGHAEAAMAQ	12373	GHAEAAM	0.246802	-0.16027
SyS1362	3196	GCCCAAAGCCTCAGCACCAGACCCGTCGCACAG	7785	AQSLSTRPVAQ	12374	SLSTRPV	0.24675	-0.01949
GS757	3197	GCCCAATCTCCGGTGCCTGGTAAGCCTGCACAG	7786	AQSPVPGKPAQ	12375	SPVPGKP	0.246636	-0.15138
GS758	3198	GCCCAAACCAGAATCAACAGCCCCCTCGCACAG	7787	AQTRINSPLAQ	12376	TRINSPL	0.246552	-0.07422
SyS1363	3199	GCCCAAGAGTCTACGTATGCGAAGCTGGCACAG	7788	AQESTYAKLAQ	12377	ESTYAKL	0.246443	-0.12586
SyS1364	3200	GCCCAACAAATCAACCAAGGCACCAGAGCACAG	7789	AQQINQGTRAQ	12378	QINQGTR	0.246362	0.115808
GS759	3201	GCCCAAGGCAGCAGAACCGGCAGCATCGCACAG	7790	AQGSRTGSIAQ	12379	GSRTGSI	0.24628	-0.05088
SyS1365	3202	GCCCAAGGGAATGCTTCTTGGTCGGCTGCACAG	7791	AQGNASWSAAQ	12380	GNASWSA	0.246249	0.006225
SyS1366	3203	GCCCAAGCGGCTCATGATATTGGTAAGGCACAG	7792	AQAAHDIGKAQ	12381	AAHDIGK	0.2462	-0.14162
GS760	3204	GCCCAAAAGGATAGGCCTTTTGTGGAGGCACAG	7793	AQKDRPFVEAQ	12382	KDRPFVE	0.246199	-0.16753
SyS1367	3205	GCCCAACTCCCCCACACCAAACCCTTCGCACAG	7794	AQLPHTKPFAQ	12383	LPHTKPF	0.246181	-0.02281
SyS1368	3206	GCCCAACCTGGGAAGGGTGTGTCTCTTGCACAG	7795	AQPGKGVSLAQ	12384	PGKGVSL	0.246139	0.157066
SyS1369	3207	GCCCAAGACAGACAAAACGCCAGCGCCGCACAG	7796	AQDRQNASAAQ	12385	DRQNASA	0.246065	-0.07979
SyS1370	3208	GCCCAAGTCCAACCCAGCCTCAGCGTCGCACAG	7797	AQVQPSLSVAQ	12386	VQPSLSV	0.246042	-0.08582
SyS1371	3209	GCCCAAAAGCCTACGCCGATTGAGTTTGCACAG	7798	AQKPTPIEFAQ	12387	KPTPIEF	0.246004	-0.1986

도면33cp

SyS1372	3210	GCCCAACTGCTTCATGATATGAAGAGTGCACAG	7799	AQLLHDMKSAQ	12388	LLHDMKS	0.245942	0.000193
SyS1373	3211	GCCCAAAACAGCGACAGAACCCTCAGCGCACAG	7800	AQNSDRTLSAQ	12389	NSDRTLS	0.245806	-0.17998
SyS1374	3212	GCCCAAAAGGTTGGGCATGGGTTTAATGCACAG	7801	AQKVGHGFNAQ	12390	KVGHGFN	0.24575	-0.23173
GS761	3213	GCCCAAACGAAGCCTGCGGTTAGTTTTGCACAG	7802	AQTKPAVSFAQ	12391	TKPAVSF	0.245736	-0.16051
SyS1375	3214	GCCCAAGCTATGACGAATATTCCGAAGGCACAG	7803	AQAMTNIPKAQ	12392	AMTNIPK	0.245618	-0.13316
GS762	3215	GCCCAATTTTCGCATATGTCTTTGCCGGCACAG	7804	AQFSHMSLPAQ	12393	FSHMSLP	0.245614	-0.18368
SyS1376	3216	GCCCAAGGGTCTGTGCGGGATAATCCGGCACAG	7805	AQGSVRDNPAQ	12394	GSVRDNP	0.245593	-0.19375
GS763	3217	GCCCAAAGTAGTTCGCAGGGGCCGACTGCACAG	7806	AQSSSQGPTAQ	12395	SSSQGPT	0.24552	-0.10423
GP139	3218	GCCCAACTTGTGGGGCGGCCGGTTACGGCACAG	7807	AQLVGRPVTAQ	12396	LVGRPVT	0.245491	-0.07301
SyS1377	3219	GCCCAAATCAACTACGGCGTCCAAAAAGCACAG	7808	AQINYGVQKAQ	12397	INYGVQK	0.245326	0.004509
SyS1378	3220	GCCCAAATTAATAAGGATAATAATCAGGCACAG	7809	AQINKDNNQAQ	12398	INKDNNQ	0.245119	-0.081
SyS1379	3221	GCCCAAAGTGGTCAGTCTTCTGCTATGGCACAG	7810	AQSGQSSAMAQ	12399	SGQSSAM	0.245048	-0.00536
GS765	3222	GCCCAAGAATACAACAGCACCAAACTCGCACAG	7811	AQEYNSTKLAQ	12400	EYNSTKL	0.244968	0.026789
SyS1381	3223	GCCCAATTTATGACGCTGGAGCGGGCGGCACAG	7812	AQFMTLERAAQ	12401	FMTLERA	0.244739	-0.20466
GS766	3224	GCCCAATTCGGCAAAGACTACGTCAACGCACAG	7813	AQFGKDYVNAQ	12402	FGKDYVN	0.244671	-0.06664
SyS1382	3225	GCCCAACTCCTCCTCGGCGGCACCCCCGCACAG	7814	AQLLLGGTPAQ	12403	LLLGGTP	0.244645	-0.15288
GS767	3226	GCCCAAACCACCACCTACACCAGAAACGCACAG	7815	AQTTTYTRNAQ	12404	TTTYTRN	0.244598	-0.0132
GP140	3227	GCCCAAGATCGGGGTATGCGGGGGGCTGCACAG	7816	AQDRGMRGAAQ	12405	DRGMRGA	0.24456	-0.07273
GS769	3228	GCCCAAGCGGTTTCGGGTACGCGTACGGCACAG	7817	AQAVSGTRTAQ	12406	AVSGTRT	0.244519	-0.05607
SS88	3229	GCCCAAAACTTCAGCGGCGTCGCCAAAGCACAG	7818	AQNFSGVAKAQ	12407	NFSGVAK	0.24428	-0.34565
GS770	3230	GCCCAAGATCGGAATAATAGTATTTCGGCACAG	7819	AQDRNNSISAQ	12408	DRNNSIS	0.244033	-0.1765
GS771	3231	GCCCAAATCCCCCAAAGACCCCTCGACGCACAG	7820	AQIPQRPLDAQ	12409	IPQRPLD	0.244033	-0.1424
GP141	3232	GCCCAACCTGCTGCGAATCAGTATGTTGCACAG	7821	AQPAANQYVAQ	12410	PAANQYV	0.243833	0.318489
GS772	3233	GCCCAATACAGCGGCACCGCCATCAGAGCACAG	7822	AQYSGTAIRAQ	12411	YSGTAIR	0.243671	-0.06766
GS773	3234	GCCCAATGGGTTCAGCGGACTGAGAGTGCACAG	7823	AQWVQRTESAQ	12412	WVQRTES	0.243512	-0.17768
SyS1385	3235	GCCCAACCCAAAGACGGCGGCGCCATCGCACAG	7824	AQPKDGGAIAQ	12413	PKDGGAI	0.243472	-0.17259
SyS1386	3236	GCCCAACTTGCTACTCCGCAGGAGGAGGCACAG	7825	AQLATPQEEAQ	12414	LATPQEE	0.243453	-0.23618
GS774	3237	GCCCAACTGAATAGTCCGGTTATGGCGGCACAG	7826	AQLNSPVMAAQ	12415	LNSPVMA	0.243434	-0.14048
GP142	3238	GCCCAAGGGGGCTACTGGGACGAGGGCTGCACAG	7827	AQGATGTRAAQ	12416	GATGTRA	0.243373	-0.01961
SyS1387	3239	GCCCAACGGACGGATGTGCGGACGAATGCACAG	7828	AQRTDVRTNAQ	12417	RTDVRTN	0.243327	-0.18527
SyS1388	3240	GCCCAAAGAAACCTCGCCCACCCCTACGCACAG	7829	AQRNLAHPYAQ	12418	RNLAHPY	0.243327	-0.18527
SyS1389	3241	GCCCAACTCAGCACCAGCTACAGCACCGCACAG	7830	AQLSTSYSTAQ	12419	LSTSYST	0.243288	-0.15981

도면33cq

SyS1390	3242	GCCCAAGGCGTCAACCAAACCGCCAGAGCACAG	7831	AQGVNQTARAQ	12420	GVNQTAR	0.243276	-0.08615
SyS1391	3243	GCCCAACTTCCGGCTAGTTCGGCTAGGGCACAG	7832	AQLPASSARAQ	12421	LPASSAR	0.243214	-0.08645
SyS1392	3244	GCCCAACAACTCTACAGCGTCAACGCCGCACAG	7833	AQQLYSVNAAQ	12422	QLYSVNA	0.243023	-0.15496
SyS1393	3245	GCCCAAGTTGGGACGTATACTGCTACGGCACAG	7834	AQVGTYTATAQ	12423	VGTYTAT	0.243023	-0.18042
GS775	3246	GCCCAAAGAAGCATGACCGTCATCGAAGCACAG	7835	AQRSMTVIEAQ	12424	RSMTVIE	0.242977	-0.15669
SyS1394	3247	GCCCAATTTGGGCGTGGTGATACGGGGTGCACAG	7836	AQFGRGDTGAQ	12425	FGRGDTG	0.242909	0.104483
SyS1395	3248	GCCCAAGCCGCCGCGGCAGAAGCAACCCCGCACAG	7837	AQAAGRSNPAQ	12426	AAGRSNP	0.242903	0.079024
GS776	3249	GCCCAAATGCCTCAGTCGAGTCTTGCTGCACAG	7838	AQMPQSSLAAQ	12427	MPQSSLA	0.242838	-0.16718
SyS1397	3250	GCCCAACCGTCTAAGCATGAGCGGTATGCACAG	7839	AQPSKHERYAQ	12428	PSKHERY	0.242467	-0.20586
SyS1399	3251	GCCCAATTGTTTGATTCTTCTAAGACTGCACAG	7840	AQLFDSSKTAQ	12429	LFDSSKT	0.242166	-0.06487
GS779	3252	GCCCAAAGCCCCCAACCCAGACTCAGCGCACAG	7841	AQSPQPRLSAQ	12430	SPQPRLS	0.242119	-0.1774
SyS1400	3253	GCCCAAAGAAGACCCGACGTCGAAAACGCACAG	7842	AQRRPDVENAQ	12431	RRPDVEN	0.242029	-0.04446
GS780	3254	GCCCAACCGATGGGTAGTGCGGGGTAGTGCACAG	7843	AQPMGSAGSAQ	12432	PMGSAGS	0.241931	-0.10709
GS781	3255	GCCCAATGGAGCACCGGCATGACCAGCGCACAG	7844	AQWSTGMTSAQ	12433	WSTGMTS	0.241931	-0.10709
SyS1401	3256	GCCCAAGGCCTCGTCAGAAACGGCGTCGCACAG	7845	AQGLVRNGVAQ	12434	GLVRNGV	0.241887	0.011133
SyS1402	3257	GCCCAAGAGGGGTCGTATAGTACGTCTGCACAG	7846	AQEGSYSTSAQ	12435	EGSYSTS	0.241562	-0.07279
SyS1403	3258	GCCCAAGCCACCAGCATGCTCACCCACGCACAG	7847	AQATSMLTHAQ	12436	ATSMLTH	0.241541	-0.18163
SyS1404	3259	GCCCAAAGCACCACCGGCCCCCCCCAGCGCACAG	7848	AQSTTGPPSAQ	12437	STTGPPS	0.241416	-0.00061
SyS1405	3260	GCCCAACGTGGGGCGTCGGTGTCTATGGCACAG	7849	AQRGASVSMAQ	12438	RGASVSM	0.241293	-0.17678
SyS1406	3261	GCCCAAGTCCACGAACACGGGCGCCAGCGCACAG	7850	AQVHEHGASAQ	12439	VHEHGAS	0.241293	-0.20709
GS783	3262	GCCCAACATTCTCCTTCTCAGCCGAGGGCACAG	7851	AQHSPSQPRAQ	12440	HSPSQPR	0.241239	-0.18816
SyS1407	3263	GCCCAAGGCATCGGCCAAAACACCGCCGCACAG	7852	AQGIGQNTAAQ	12441	GIGQNTA	0.240916	0.12394
SyS1408	3264	GCCCAACACAGAGTCGAAAACAGCTACGCACAG	7853	AQHRVENSYAQ	12442	HRVENSY	0.240897	-0.13677
GS785	3265	GCCCAAACTGAGTTTAAGCCTCCGTCGGCACAG	7854	AQTEFKPPSAQ	12443	TEFKPPS	0.240856	-0.16051
SyS1409	3266	GCCCAATATGGTAATTTGGGGGTTAATGCACAG	7855	AQYGNLGVNAQ	12444	YGNLGVN	0.240623	-0.09677
SyS1410	3267	GCCCAACTCACCAGAGTCCTCACCGGCGCACAG	7856	AQLTRVLTGAQ	12445	LTRVLTG	0.240472	-0.09192
SyS1411	3268	GCCCAAATGAAAAACAGCAACGGCGCCGCACAG	7857	AQMKNSNGAAQ	12446	MKNSNGA	0.240422	-0.05676
GS788	3269	GCCCAAGGCACCCAAACCCACCTCCAAGCACAG	7858	AQGTQTHLQAQ	12447	GTQTHLQ	0.24023	-0.15766
SyS1412	3270	GCCCAAAATGCGCTTGCTAGGACGATGGCACAG	7859	AQNALARTMAQ	12448	NALARTM	0.240048	-0.14768
GS789	3271	GCCCAAAATAATTCTATGCAGACGGTGGCACAG	7860	AQNNSMQTVAQ	12449	NNSMQTV	0.24002	-0.16035
GS790	3272	GCCCAACACAAGGCAACGGCAGAAGCGCACAG	7861	AQQQGNGRSAQ	12450	QQGNGRS	0.239981	-0.06255
GS791	3273	GCCCAACTCACCAAAAGCCAAGGCTACGCACAG	7862	AQLTKSQGYAQ	12451	LTKSQGY	0.239958	-0.05367

도면33cr

SyS1413	3274	GCCCAAGCCCCCGCCGAACCCAAAACCGCACAG	7863	AQAPAEPKTAQ	12452	APAEPKT	0.239917	-0.07252
SyS1415	3275	GCCCAATATAGTAATCAGGTGAGTAATGCACAG	7864	AQYSNQVSNAQ	12453	YSNQVSN	0.23984	-0.17799
GS792	3276	GCCCAAACTCGTACGGGGTTTTCTCCTGCACAG	7865	AQTRTGFSPAQ	12454	TRTGFSP	0.23983	-0.09659
SyS1416	3277	GCCCAACCCGTCTACAAAACCGACGACGCACAG	7866	AQPVYKTDDAQ	12455	PVYKTDD	0.23942	0.109874
SyS1417	3278	GCCCAATCTGATAGGCCGGCTCCTGAGGCACAG	7867	AQSDRPAPEAQ	12456	SDRPAPE	0.239322	-0.20345
GS796	3279	GCCCAAGTTCAGGAGAAGTCGAGGCCTGCACAG	7868	AQVQEKSRPAQ	12457	VQEKSRP	0.239154	-0.05489
SyS1418	3280	GCCCAAAGCGGCGGCCTCACCGAAAGAGCACAG	7869	AQSGGLTERAQ	12458	SGGLTER	0.238974	0.018624
GS797	3281	GCCCAAAGCGGCGGCACCAGAGAAGGCGCACAG	7870	AQSGGTREGAQ	12459	SGGTREG	0.238968	-0.17195
GS798	3282	GCCCAAGCCGTCCCGGCGAAACCAGAGCACAG	7871	AQAVPGETRAQ	12460	AVPGETR	0.238881	-0.10872
SyS1419	3283	GCCCAACCGCGGCCGGAGAGGATGTATGCACAG	7872	AQPRPERMYAQ	12461	PRPERMY	0.238847	-0.23376
SyS1420	3284	GCCCAAAGCAACGGCAACATCAGCAGAGCACAG	7873	AQSNGNISRAQ	12462	SNGNISR	0.23868	0.07724
GS799	3285	GCCCAAGCCAGAACCGAAAGAAACCAAGCACAG	7874	AQARTERNQAQ	12463	ARTERNQ	0.238676	-0.07152
SyS1421	3286	GCCCAAAGTCCTCAGCAGTTTTCGAAGGCACAG	7875	AQSPQQFSKAQ	12464	SPQQFSK	0.238555	-0.16766
SyS1422	3287	GCCCAAAGCACCGGCCCCTTCCCCCAAGCACAG	7876	AQSTGPFPQAQ	12465	STGPFPQ	0.238506	-0.2268
GS800	3288	GCCCAAGCCAACATCGGCACCAGCACCGCACAG	7877	AQANIGTSTAQ	12466	ANIGTST	0.238473	-0.1462
SyS1423	3289	GCCCAATACAGAGACAACACCAGCGGCGCACAG	7878	AQYRDNTSGAQ	12467	YRDNTSG	0.238378	-0.04463
SyS1424	3290	GCCCAAGTGCAGACTAGGTCTCCGATGGCACAG	7879	AQVQTRSPMAQ	12468	VQTRSPM	0.238378	-0.13435
SyS1425	3291	GCCCAAATCCACACCAGCATCGTCGACGCACAG	7880	AQIHTSIVDAQ	12469	IHTSIVD	0.238378	-0.1792
GS801	3292	GCCCAAATGACTCGGACTAGTAGTGAGGCACAG	7881	AQMTRTSSEAQ	12470	MTRTSSE	0.23833	-0.08134
SyP51	3293	GCCCAACCGTCGAATTTCCTGGGTCTGCACAG	7882	AQPSNFPGSAQ	12471	PSNFPGS	0.238303	-0.0398
SyS1426	3294	GCCCAAATGATCGGCGGCACCCAAAGCGCACAG	7883	AQMIGGTQSAQ	12472	MIGGTQS	0.238168	-0.21921
SyS1427	3295	GCCCAAAAGCTTGATAAGCATGAGTCTGCACAG	7884	AQKLDKHESAQ	12473	KLDKHES	0.238069	-0.16951
SyS1428	3296	GCCCAACTTACGAGTAGTAATAGTGCTGCACAG	7885	AQLTSSNSAAQ	12474	LTSSNSA	0.23749	-0.09555
GS805	3297	GCCCAAAGTACTCGTGATACTCATTTTGCACAG	7886	AQSTRDTHFAQ	12475	STRDTHF	0.237351	-0.04196
GS808	3298	GCCCAAGATACGTTGAAGGCTGTTAGGGCACAG	7887	AQDTLKAVRAQ	12476	DTLKAVR	0.237261	-0.17201
GS809	3299	GCCCAACAGCGTAATCCGTCGCTTCATGCACAG	7888	AQQRNPSLHAQ	12477	QRNPSLH	0.237261	-0.14151
SyS1430	3300	GCCCAATCGGGTGATGGGAATCGTTCGGCACAG	7889	AQSGDGNRSAQ	12478	SGDGNRS	0.237239	0.28722
SyS1431	3301	GCCCAAGGCGTCTACAAAACCCTCCACGCACAG	7890	AQGVYKTLHAQ	12479	GVYKTLH	0.236906	-0.18042
GS812	3302	GCCCAAATTAATTCGAATCAGGTGAGTGCACAG	7891	AQINSNQVSAQ	12480	INSNQVS	0.236622	-0.1774
SyS1432	3303	GCCCAACACTACAACGAACACATGACCGCACAG	7892	AQHYNEHMTAQ	12481	HYNEHMT	0.236614	-0.05689
SyS1433	3304	GCCCAAACTGTGCAGGTTCGTGATCGGGCACAG	7893	AQTVQVRDRAQ	12482	TVQVRDR	0.236461	-0.06516
TS162	3305	GCCCAAGGCAACGACATCAGAAGCAGAGCACAG	7894	AQGNDIRSRAQ	12483	GNDIRSR	0.236352	0.106582

도면33cs

SyS1434	3306	GCCCAAGTCAGCGTCAGCATGGGCCCGCACAG	7895	AQVSVSMGPAQ	12484	VSVSMGP	0.236036	-0.02892
SyS1436	3307	GCCCAATTCAAAACCAACATCAGCGCCGCACAG	7896	AQFKTNISAAQ	12485	FKTNISA	0.235866	-0.12707
SyS1438	3308	GCCCAATTTCCGAAGGTGGAGAGGTATGCACAG	7897	AQFPKVERYAQ	12486	FPKVERY	0.235735	-0.23296
SyS1439	3309	GCCCAACTTAGTAAGTTTCAGACTACGGCACAG	7898	AQLSKFQTTAQ	12487	LSKFQTT	0.235498	-0.19723
SyS1442	3310	GCCCAAAGCCTCATGAACAGCAGAAGCGCACAG	7899	AQSLMNSRSAQ	12488	SLMNSRS	0.235263	-0.09106
SyP52	3311	GCCCAAGGGCGTGGGGTGCTGGAGTCTGCACAG	7900	AQGRGVLESAQ	12489	GRGVLES	0.235143	-0.04392
GS814	3312	GCCCAACCTAATGGGTCGCAGATGATTGCACAG	7901	AQPNGSQMIAQ	12490	PNGSQMI	0.235069	-0.1756
SyS1443	3313	GCCCAACCCACCGTCGGCAACAGCTACGCACAG	7902	AQPTVGNSYAQ	12491	PTVGNSY	0.234983	0.010187
SyS1444	3314	GCCCAAAGCAGCGACATCATGAAAGCCGCACAG	7903	AQSSDIMKAAQ	12492	SSDIMKA	0.234776	-0.13314
GS816	3315	GCCCAACTGATGACTAGTGCTGGTCGTGCACAG	7904	AQLMTSAGRAQ	12493	LMTSAGR	0.234691	-0.17829
SyS1447	3316	GCCCAACCCGCCATGAGCAGCAGCAGAGCACAG	7905	AQPAMSSSRAQ	12494	PAMSSSR	0.234552	0.036927
GS817	3317	GCCCAACGTGATAAGGCGATTTCGACGGCACAG	7906	AQRDKAISTAQ	12495	RDKAIST	0.234493	-0.08025
GS818	3318	GCCCAATTGACTTTGAAGCAGGGGGATTGCACAG	7907	AQLTLKQGIAQ	12496	LTLKQGI	0.234404	-0.1433
GS819	3319	GCCCAATCTCATGCTAATGGGTTTAGTGCACAG	7908	AQSHANGFSAQ	12497	SHANGFS	0.234293	-0.18099
SyS1449	3320	GCCCAACCGAATTTGAAGGCTCCGCAGGCACAG	7909	AQPNLKAPQAQ	12498	PNLKAPQ	0.233974	-0.18769
SyS1450	3321	GCCCAAAGCTACGGCAGAGAAGTCAGAGCACAG	7910	AQSYGREVRAQ	12499	SYGREVR	0.233931	-0.18284
SyS1451	3322	GCCCAAAACGACACCCAAAGCCCCAAAGCACAG	7911	AQNDTQSPKAQ	12500	NDTQSPK	0.233816	-0.16829
SyS1452	3323	GCCCAAGACGAAAGAGCCCCCAAACACGCACAG	7912	AQDERAPKHAQ	12501	DERAPKH	0.233748	-0.15859
GS820	3324	GCCCAAAACGGGCAGACCCATGGGCATGGCACAG	7913	AQNGRPMGMAQ	12502	NGRPMGM	0.233736	-0.12617
GS821	3325	GCCCAACATACTCAGTCTGTGACTATGGCACAG	7914	AQHTQSVTMAQ	12503	HTQSVTM	0.233699	-0.16125
SyS1453	3326	GCCCAAAACAACTTCAACGCCAGCCTCGCACAG	7915	AQNNFNASLAQ	12504	NNFNASL	0.23358	-0.1295
SyS1454	3327	GCCCAAGAATACCTCAAAGGCAGCGCCGCACAG	7916	AQEYLKGSAAQ	12505	EYLKGSA	0.23358	-0.1295
GS822	3328	GCCCAATCTAAGACGCCTGATATGTTGGCACAG	7917	AQSKTPDMLAQ	12506	SKTPDML	0.233472	-0.15138
SyS1455	3329	GCCCAAGTCAACACCGGCCACGTCAGAGCACAG	7918	AQVNTGHVRAQ	12507	VNTGHVR	0.23344	-0.13454
GS823	3330	GCCCAAGGTTCTCAGTCGGATGCGCGTGCACAG	7919	AQGSQSDARAQ	12508	GSQSDAR	0.233353	-0.0985
SyS1456	3331	GCCCAATCTTTGACTTTTCTAAGGATGCACAG	7920	AQSLTFSKDAQ	12509	SLTFSKD	0.233165	-0.15904
SyS1457	3332	GCCCAAAACGCCCTCGAAAGCAGAATGGCACAG	7921	AQNALESRMAQ	12510	NALESRM	0.233165	-0.18121
SyS1458	3333	GCCCAAAACGGCATCGCCAGAGAACCCGCACAG	7922	AQNGIAREPAQ	12511	NGIAREP	0.233148	0.030787
SyS1459	3334	GCCCAAAACCTCGTCAGCGTCAGCACCGCACAG	7923	AQNLVSVSTAQ	12512	NLVSVST	0.232787	-0.21694
SyS1461	3335	GCCCAAGACATGCTCAGCTACAAACCCGCACAG	7924	AQDMLSYKPAQ	12513	DMLSYKP	0.232747	0.049327
SyS1463	3336	GCCCAAAGAAGCACCGACAGCATGACCGCACAG	7925	AQRSTDSMTAQ	12514	RSTDSMT	0.232649	0.12732
SyS1464	3337	GCCCAAGAGATGAATCATAGTCTTTCTGCACAG	7926	AQEMNHSLSAQ	12515	EMNHSLS	0.232545	-0.18614

도면33ct

GS827	3338	GCCCAAGCCCTCAGCAAAGAAGCCAGCGCACAG	7927	AQALSKEASAQ	12516	ALSKEAS	0.232439	-0.11949
SyS1465	3339	GCCCAAAACGGCCACAACATGAGCCAAGCACAG	7928	AQNGHNMSQAQ	12517	NGHNMSQ	0.232428	-0.00948
SyS1466	3340	GCCCAAACCACCGCCGAAGCCACCAGAGCACAG	7929	AQTTAEATRAQ	12518	TTAEATR	0.232428	-0.03372
SyS1467	3341	GCCCAAAGAGAAAGCGCCCACCACAACGCACAG	7930	AQRESAHHNAQ	12519	RESAHHN	0.232428	-0.12586
SyS1469	3342	GCCCAAATGTTTACGGGGAATGGGCAGGCACAG	7931	AQMFTGNGQAQ	12520	MFTGNGQ	0.232428	-0.218
SyS1470	3343	GCCCAACATCTTCAGACGCCGCCGGCTGCACAG	7932	AQHLQTPPAAQ	12521	HLQTPPA	0.232331	-0.2305
SyS1471	3344	GCCCAATCGCTTGTGGGTCAGGGTAAGGCACAG	7933	AQSLVGQGKAQ	12522	SLVGQGK	0.232298	-0.09584
SyS1472	3345	GCCCAACTCCCCCTCACCCCCATCGCCGCACAG	7934	AQLPLTPIAAQ	12523	LPLTPIA	0.232279	0.019127
GS828	3346	GCCCAAGCTATGAAGCAGTCGTCTATTGCACAG	7935	AQAMKQSSIAQ	12524	AMKQSSI	0.232051	-0.12341
GS829	3347	GCCCAATATCCTACGAATGTGAAGTCGGCACAG	7936	AQYPTNVKSAQ	12525	YPTNVKS	0.232018	0.099106
SyS1473	3348	GCCCAAAGCAACAGCCTCCCCAGCAGAGCACAG	7937	AQSNSLPSRAQ	12526	SNSLPSR	0.231997	-0.06106
GS830	3349	GCCCAACCGACGGCGGCTACTGGGACGGCACAG	7938	AQPTAATGTAQ	12527	PTAATGT	0.231918	-0.16528
GS831	3350	GCCCAAATCGCCCAAAACGGCCCCGGCCGCACAG	7939	AQIAQNGPGAQ	12528	IAQNGPG	0.231887	-0.12998
SyS1475	3351	GCCCAAACTACTCATCAGCTTACTCCGGCACAG	7940	AQTTHQLTPAQ	12529	TTHQLTP	0.231805	0.179914
SyS1476	3352	GCCCAACTTATTCCTGCGAGGGATGTGGCACAG	7941	AQLIPARDVAQ	12530	LIPARDV	0.231788	-0.0519
SyS1477	3353	GCCCAAAAAATCGCCCACGGCGACATCGCACAG	7942	AQKIAHGDIAQ	12531	KIAHGDI	0.231565	-0.05433
SyS1478	3354	GCCCAAGCCAGACCCCAAAGCGACAAAGCACAG	7943	AQARPQSDKAQ	12532	ARPQSDK	0.231506	0.192363
SyS1479	3355	GCCCAACCCAGACCCAACGTCCTCGACGCACAG	7944	AQPRPNVLDAQ	12533	PRPNVLD	0.231372	0.138428
GS833	3356	GCCCAACTCAACAAAGGCAGCAGCAACGCACAG	7945	AQLNKGSSNAQ	12534	LNKGSSN	0.231355	-0.0385
GS834	3357	GCCCAACGGGTTTATAATGGTGATCTGGCACAG	7946	AQRVYNGDLAQ	12535	RVYNGDL	0.231254	-0.14048
SyS1481	3358	GCCCAAACCGTCCCCGCCAACAGCAGCGCACAG	7947	AQTVPANSSAQ	12536	TVPANSS	0.231245	-0.13677
SyS1482	3359	GCCCAAACCAGACACACCAGCCTCACCGCACAG	7948	AQTRHTSLTAQ	12537	TRHTSLT	0.231191	-0.14647
SS95	3360	GCCCAAAATCATGCGGTGACGAATTCTGCACAG	7949	AQNHAVTNSAQ	12538	NHAVTNS	0.231161	-0.29794
SyS1483	3361	GCCCAATTGGCGTCGCATTCTACGCTTGCACAG	7950	AQLASHSTLAQ	12539	LASHSTL	0.231132	-0.15617
GS836	3362	GCCCAAGTCGCCTTCAAAGCGGCATCGCACAG	7951	AQVAFKSGIAQ	12540	VAFKSGI	0.231125	-0.13792
SyS1484	3363	GCCCAAAGAGTCGGCCCCGAAAGCAGCGCACAG	7952	AQRVGPESSAQ	12541	RVGPESS	0.231067	-0.16587
GS838	3364	GCCCAAGCCCCCAGCAACGTCCACACCGCACAG	7953	AQAPSNVHTAQ	12542	APSNVHT	0.231055	-0.05067
SyS1485	3365	GCCCAAACTAGGTCGGAGGTGATGAAGGCACAG	7954	AQTRSEVMKAQ	12543	TRSEVMK	0.230872	-0.19011
GS839	3366	GCCCAATTGAAGGAGCAGCATGGTGGGGCACAG	7955	AQLKEQHGGAQ	12544	LKEQHGG	0.230779	-0.18009
SP37	3367	GCCCAAAAGGGCGGAGTCGCATGCGACGGCACAG	7956	AQKAESHATAQ	12545	KAESHAT	0.230702	-0.0491
SyS1486	3368	GCCCAATATAGGACGGATATGCTGAGTGCACAG	7957	AQYRTDMLSAQ	12546	YRTDMLS	0.230667	-0.20955
GS841	3369	GCCCAAGATACGCAGGGGAGGATGCGGGCACAG	7958	AQDTQGRMRAQ	12547	DTQGRMR	0.230611	-0.10327

도면33cu

GS842	3370	GCCCAATGTCTTCCTAAGGGTTGTACGGCACAG	7959	AQCLPKGCTAQ	12548	CLPKGCT	0.230518	-0.15097
SyS1487	3371	GCCCAAGGCAGCCCCACCGTCGTCCACGCACAG	7960	AQGSPTVVHAQ	12549	GSPTVVH	0.230363	-0.07403
SyS1488	3372	GCCCAATTGTCGCTTTCTACGCAGAGGGCACAG	7961	AQLSLSTQRAQ	12550	LSLSTQR	0.230358	-0.10005
GS843	3373	GCCCAAAACATGGCCCAAAACGCCAGAGCACAG	7962	AQNMAQNARAQ	12551	NMAQNAR	0.230121	-0.1462
GS845	3374	GCCCAACTCAGCACCAACGTCCTCCTCGCACAG	7963	AQLSTNVLLAQ	12552	LSTNVLL	0.229919	-0.16573
GS846	3375	GCCCAAACTTCGCCTGTTATTCGTACTGCACAG	7964	AQTSPVIRTAQ	12553	TSPVIRT	0.229823	-0.17386
SyS1490	3376	GCCCAACCTAGTGCTGGTCATGTTTTGGCACAG	7965	AQPSAGHVLAQ	12554	PSAGHVL	0.229391	-0.18648
GS849	3377	GCCCAACTGTCTGGTACGGCTACTTCGGCACAG	7966	AQLSGTATSAQ	12555	LSGTATS	0.229374	-0.16909
SyS1491	3378	GCCCAAACGGGGTAATCCGAATCCGACTGCACAG	7967	AQTGNPNPTAQ	12556	TGNPNPT	0.229306	-0.17998
SyS1492	3379	GCCCAACAATTCGAACACAGCCTCCCCGCACAG	7968	AQQFEHSLPAQ	12557	QFEHSLP	0.229163	-0.03857
SyS1493	3380	GCCCAACTCACCCCCGGCCAAATCAGAGCACAG	7969	AQLTPGQIRAQ	12558	LTPGQIR	0.229124	0.08066
GS850	3381	GCCCAACTGATGAATGCGAAGACGAGGCACAG	7970	AQLMNAKTTAQ	12559	LMNAKTT	0.22906	-0.06983
SyS1494	3382	GCCCAACAAAGAGACACCAACATGGCCGCACAG	7971	AQQRDTNMAAQ	12560	QRDTNMA	0.228811	0.109343
SyS1495	3383	GCCCAAAACCTCCTCGAAATCGGCAGAGCACAG	7972	AQNLLEIGRAQ	12561	NLLEIGR	0.228652	-0.2042
SyS1496	3384	GCCCAAGACGTCAAAGACAAACAAATCGCACAG	7973	AQDVKDKQIAQ	12562	DVKDKQI	0.228561	-0.08214
GS851	3385	GCCCAAGTGACTATTTCGAATAAGCCTGCACAG	7974	AQVTISNKPAQ	12563	VTISNKP	0.228495	-0.06638
SyS1497	3386	GCCCAAAGCACCCCCATCAACAGCAGAGCACAG	7975	AQSTPINSRAQ	12564	STPINSR	0.228369	-0.10161
SyS1499	3387	GCCCAAGGCACCCACGGCCTCACCAGCGCACAG	7976	AQGTHGLTSAQ	12565	GTHGLTS	0.228217	0.021364
SyS1500	3388	GCCCAACAGTCTCCGGGGATGATTCATGCACAG	7977	AQQSPGMIHAQ	12566	QSPGMIH	0.228178	-0.10536
SyS1501	3389	GCCCAACAAACCGGCCCCGTCCTCAGCGCACAG	7978	AQQTGPVLSAQ	12567	QTGPVLS	0.2281	-0.17799
GS853	3390	GCCCAAACTTATGTGTCGTCTGGTCCGGCACAG	7979	AQTYVSSGPAQ	12568	TYVSSGP	0.228034	-0.07561
SyS1502	3391	GCCCAAACCAGCACCCTCCCCAGACTCGCACAG	7980	AQTSTLPRLAQ	12569	TSTLPRL	0.227986	-0.21571
SyS1503	3392	GCCCAATACACCCACAAAGACAACGACGCACAG	7981	AQYTHKDNDAQ	12570	YTHKDND	0.227932	-0.20709
SyS1504	3393	GCCCAACTCGGCGCCCAAAGCACCCTCGCACAG	7982	AQLGAQSTLAQ	12571	LGAQSTL	0.227857	-0.18769
SyS1505	3394	GCCCAATTGGCGCAGGTTAGGCCTGCTGCACAG	7983	AQLAQVRPAAQ	12572	LAQVRPA	0.227792	-0.01727
GS854	3395	GCCCAAGGCAGAGTCGTCGCCAGCAACGCACAG	7984	AQGRVVASNAQ	12573	GRVVASN	0.227751	-0.11202
TS165	3396	GCCCAAAGTAATCGGGTTAGGGATCTTGCACAG	7985	AQSNRVRDLAQ	12574	SNRVRDL	0.227718	-0.09285
SyS1506	3397	GCCCAAGAAAGAGACAGAGAAAAACTCGCACAG	7986	AQERDREKLAQ	12575	ERDREKL	0.227632	-0.12947
GS855	3398	GCCCAAAAGTCTGGGACGAGTTCTACTGCACAG	7987	AQKSGTSSTAQ	12576	KSGTSST	0.227463	-0.16214
SyS1507	3399	GCCCAAGCTGGTCAGAGTACTATTTATGCACAG	7988	AQAGQSTIYAQ	12577	AGQSTIY	0.227436	-0.20224
GS856	3400	GCCCAAGAGTTTCGCAGCCGAGGCTGGCACAG	7989	AQEFSQPRLAQ	12578	EFSQPRL	0.22738	-0.18245
GS857	3401	GCCCAAACGTATGCGAGGTCGGATAAGGCACAG	7990	AQTYARSDKAQ	12579	TYARSDK	0.227253	-0.11091

도면33cv

GS859	3402	GCCCAAGGCAAATTCAACGGCCACACCGCACAG	7991	AQGKFNGHTAQ	12580	GKFNGHT	0.227141	-0.07202
GS860	3403	GCCCAACGGTTGATTAGTAATGGGAATGCACAG	7992	AQRLISNGNAQ	12581	RLISNGN	0.227083	-0.13571
GS861	3404	GCCCAATTGAAGGAGTCGTTGGGGCCTGCACAG	7993	AQLKESLGPAQ	12582	LKESLGP	0.226974	-0.14811
GS862	3405	GCCCAAAACAGACACACCCTCGCCGTCGCACAG	7994	AQNRHTLAVAQ	12583	NRHTLAV	0.226794	-0.18188
GS863	3406	GCCCAAAGAGACACCAGACTCAGCGCCGCACAG	7995	AQRDTRLSAAQ	12584	RDTRLSA	0.226714	-0.14334
GS864	3407	GCCCAAGTCAGCAGACTCGGCAGCATCGCACAG	7996	AQVSRLGSIAQ	12585	VSRLGSI	0.226686	-0.12988
GS865	3408	GCCCAATTGACTACGTCGGTGATTTCGGCACAG	7997	AQLTTSVISAQ	12586	LTTSVIS	0.226678	-0.17291
SyS1509	3409	GCCCAATTTAAGGGGGTGGCTCATATTGCACAG	7998	AQFKGVAHIAQ	12587	FKGVAHI	0.226637	-0.1792
GS866	3410	GCCCAAAAGACGAGGAGGCTCTTCCTGCACAG	7999	AQKTTEALPAQ	12588	KTTEALP	0.226561	-0.15574
SyS1510	3411	GCCCAACGTAATCAGCATGATACTACTGCACAG	8000	AQRNQHDTTAQ	12589	RNQHDTT	0.226461	-0.1307
SyS1511	3412	GCCCAAAATAAGCTTCTGCCTCGTAGTGCACAG	8001	AQNKLLPRSAQ	12590	NKLLPRS	0.226387	-0.15657
GS867	3413	GCCCAAGTCAACAGCCACGAAAGAGCCGCACAG	8002	AQVNSHERAAQ	12591	VNSHERA	0.226374	-0.16814
GS868	3414	GCCCAAGCGAAGGGTAGTCTGAATATGGCACAG	8003	AQAKGSLNMAQ	12592	AKGSLNM	0.22628	-0.08549
SyS1512	3415	GCCCAAGTTAAGACTGATCGGGTTCTGGCACAG	8004	AQVKTDRVLAQ	12593	VKTDRVL	0.226235	-0.04586
SyS1513	3416	GCCCAACCGCGTTCGGATCAGATTAGGGCACAG	8005	AQPRSDQIRAQ	12594	PRSDQIR	0.226105	-0.21694
GS869	3417	GCCCAAAACAGAGTCGGCACCGAAAGAGCACAG	8006	AQNRVGTERAQ	12595	NRVGTER	0.226048	-0.00622
SyS1514	3418	GCCCAAGGCGTCCCCACCGCCGGCACCGCACAG	8007	AQGVPTAGTAQ	12596	GVPTAGT	0.226045	-0.22557
GS870	3419	GCCCAAAGCCTCATGAAACAAAGCCACGCACAG	8008	AQSLMKQSHAQ	12597	SLMKQSH	0.225961	-0.13881
GS871	3420	GCCCAAGGCACCAGCAACATCATGGCACAG	8009	AQGTSSNIMAQ	12598	GTSSNIM	0.225838	-0.14143
SyS1515	3421	GCCCAACTTCGGAGTGATATTAGTACTGCACAG	8010	AQLRSDISTAQ	12599	LRSDIST	0.225835	-0.09082
GS872	3422	GCCCAAATGACCACCGGCAGAGACCTCGCACAG	8011	AQMTTGRDLAQ	12600	MTTGRDL	0.225564	-0.06321
SyS1516	3423	GCCCAAAGTGGTGTTGCGAATAGTTATGCACAG	8012	AQSGVANSYAQ	12601	SGVANSY	0.225464	-0.10606
SyS1517	3424	GCCCAAGCGGTTCCGTCTTATAATAATGCACAG	8013	AQAVPSYNNAQ	12602	AVPSYNN	0.225384	-0.18728
GS873	3425	GCCCAACTCAACGGCGGCAACAGCCCCGCACAG	8014	AQLNGGNSPAQ	12603	LNGGNSP	0.225327	-0.11997
GS874	3426	GCCCAAAACAGCCACAGCACCAGCTGGGCACAG	8015	AQNSHSTSWAQ	12604	NSHSTSW	0.225327	-0.17291
GS875	3427	GCCCAAATGTATCATACGGGGCAGGTGGCACAG	8016	AQMYHTGQVAQ	12605	MYHTGQV	0.22518	-0.15855
GS876	3428	GCCCAAAGAGACAAACTCTACATCGCCGCACAG	8017	AQRDKLYIAAQ	12606	RDKLYIA	0.225179	-0.14429
SyS1518	3429	GCCCAAAGGAAGTCGGAGGCGGTTCTTGCACAG	8018	AQRKSEAVLAQ	12607	RKSEAVL	0.225067	-0.14768
SyP53	3430	GCCCAACATAAGGGTATTCAGGTGATTGCACAG	8019	AQHKGIQVIAQ	12608	HKGIQVI	0.224991	-0.04221
GP146	3431	GCCCAAATTGGGAAGGATGCTCCGAAGGCACAG	8020	AQIGKDAPKAQ	12609	IGKDAPK	0.224985	-0.06655
SyS1519	3432	GCCCAAAGCCTCGCCGGCCTCCAAGACGCACAG	8021	AQSLAGLQDAQ	12610	SLAGLQD	0.22498	0.118922
SyS1520	3433	GCCCAATTTAGGGTGTCTGTTGCTGAGGCACAG	8022	AQFRVSVAEAQ	12611	FRVSVAE	0.22497	-0.2305

도면33cw

SyS1521	3434	GCCCAAACCCACAAAGAACACAGCATCGCACAG	8023	AQTHKEHSIAQ	12612	THKEHSI	0.2249	-0.06105
SyS1522	3435	GCCCAAAACAGCAACCACACCTACAGAGCACAG	8024	AQNSNHTYRAQ	12613	NSNHTYR	0.224808	-0.22285
SyS1523	3436	GCCCAATTTAATGGGGTTCGTACGGTGGCACAG	8025	AQFNGVRTVAQ	12614	FNGVRTV	0.224692	-0.12465
GS878	3437	GCCCAACACATGGGCATGAGAGACGGCGCACAG	8026	AQHMGMRDGAQ	12615	HMGMRDG	0.22465	-0.16125
SyS1524	3438	GCCCAAGGGCAGCAGTCTATGGCGGTGGCACAG	8027	AQGQQSMAVAQ	12616	GQQSMAV	0.224648	-0.1923
GS879	3439	GCCCAATGGTCGAGTCAGGTTAATCGTGCACAG	8028	AQWSSQVNRAQ	12617	WSSQVNR	0.224293	-0.16432
SyS1525	3440	GCCCAAGGTTCGCATGTTGGGATGCCGGCACAG	8029	AQGSHVGMPAQ	12618	GSHVGMP	0.224189	-0.1392
GP147	3441	GCCCAAAAGGGGTCGTTGACTGCTAGTGCACAG	8030	AQKGSLTASAQ	12619	KGSLTAS	0.224166	-0.06794
SyS1526	3442	GCCCAAGGCGCCCAAAGCAACATCGTCGCACAG	8031	AQGAQSNIVAQ	12620	GAQSNIV	0.224129	-0.07858
GS880	3443	GCCCAAAAATGATTATAATCATACGCGTGCACAG	8032	AQNDYNHTRAQ	12621	NDYNHTR	0.224097	-0.18547
GS881	3444	GCCCAACAAATCAACCCCAGCAGCGTCGCACAG	8033	AQQINPSSVAQ	12622	QINPSSV	0.224097	-0.17829
GS882	3445	GCCCAAGCGTTGCGTGGTGCGTCTAATGCACAG	8034	AQALRGASNAQ	12623	ALRGASN	0.224097	-0.17112
SyS1527	3446	GCCCAAAGTGCTTCGACTATGTCGTTTGCACAG	8035	AQSASTMSFAQ	12624	SASTMSF	0.223975	-0.13887
GS883	3447	GCCCAACTCAGCAGCAACAACAACGCACAG	8036	AQLSSNNNNAQ	12625	LSSNNNN	0.223961	-0.10614
GS884	3448	GCCCAATCTACGACGCTGGCGTCGAAGGCACAG	8037	AQSTTLASKAQ	12626	STTLASK	0.223954	-0.1411
GS885	3449	GCCCAACACAGAATGCTCGACGGCGTCGCACAG	8038	AQHRMLDGVAQ	12627	HRMLDGV	0.223938	-0.15478
SyS1528	3450	GCCCAAAGCAGCGAAAGCAGCACCCCCGCACAG	8039	AQSSESSTPAQ	12628	SSESSTP	0.223912	-0.17678
GS886	3451	GCCCAATTGTATGATTCTAGTCATAGTGCACAG	8040	AQLYDSSHSAQ	12629	LYDSSHS	0.223828	-0.13594
SyS1529	3452	GCCCAAGGTAATTATAATTTGAGTGTGGCACAG	8041	AQGNYNLSVAQ	12630	GNYNLSV	0.223824	-0.18808
GS887	3453	GCCCAAATGCATAATGTTGCTACGGTGGCACAG	8042	AQMHNVATVAQ	12631	MHNVATV	0.223778	-0.12132
SyS1530	3454	GCCCAAACCAACTACGGCGACACGGTCGCACAG	8043	AQTNYGDSVAQ	12632	TNYGDSV	0.223637	-0.06038
SyS1531	3455	GCCCAAAATCGTGGGGAGGATGCGCGGGCACAG	8044	AQNRGEDARAQ	12633	NRGEDAR	0.223622	0.017796
GS889	3456	GCCCAATTTGGTAAGACGGCGGCTACTGCACAG	8045	AQFGKTAATAQ	12634	FGKTAAT	0.223612	-0.1451
GS890	3457	GCCCAAAATACGAAGGTTAATACTGAGGCACAG	8046	AQNTKVNTEAQ	12635	NTKVNTE	0.223612	-0.1451
GS891	3458	GCCCAAGTCACCGGCCACCTCAGCAGCGCACAG	8047	AQVTGHLSSAQ	12636	VTGHLSS	0.223553	-0.15945
SyS1532	3459	GCCCAAGTGGCTACTTCGCATTTGAAGGCACAG	8048	AQVATSHLKAQ	12637	VATSHLK	0.223491	-0.21436
SyS1533	3460	GCCCAATACACCCCCGGCAGCGACAGAGCACAG	8049	AQYTPGSDRAQ	12638	YTPGSDR	0.223431	-0.03541
SyS1534	3461	GCCCAAGGCTTCACCACCGTCACCCACGGCACAG	8050	AQGFTTVTHAQ	12639	GFTTVTH	0.223406	-0.15859
SyS1535	3462	GCCCAAGCCGCCGCCACCAGCACCACCGCACAG	8051	AQAAATSTTAQ	12640	AAATSTT	0.223334	-0.08247
SyS1536	3463	GCCCAAGCGAATATTCATGTTCATGGTGCACAG	8052	AQANIHVHGAQ	12641	ANIHVHG	0.223187	-0.13556
SyS1537	3464	GCCCAATATAGTTTGCGGGGTAATGATGCACAG	8053	AQYSLRGNDAQ	12642	YSLRGND	0.223187	-0.16344
SyS1538	3465	GCCCAAATTGATCAGATTGTGCAGCGTGCACAG	8054	AQIDQIVQRAQ	12643	IDQIVQR	0.223187	-0.19133

도면33cx

SyS1539	3466	GCCCAATTCAACAGCGACCTCGCCATGGCACAG	8055	AQFNSDLAMAQ	12644	FNSDLAM	0.223187	-0.19133
SyS1540	3467	GCCCAAAATATGGAGTCGCAGCGTTATGCACAG	8056	AQNMESQRYAQ	12645	NMESQRY	0.223135	-0.2231
SyP54	3468	GCCCAACCGCTTTCTAGTTCGCTTTCGGCACAG	8057	AQPLSSSLSAQ	12646	PLSSSLS	0.222938	-0.04335
SyS1541	3469	GCCCAACAGGGTACGCTTCATGCTGAGGCACAG	8058	AQQGTLHAEAQ	12647	QGTLHAE	0.222917	-0.19618
SyS1542	3470	GCCCAACCCGACAGAGCCACCGCCCTCGCACAG	8059	AQPDRATALAQ	12648	PDRATAL	0.222911	-0.1344
SyS1543	3471	GCCCAAGCCAACGGCAAAATCCAACTCGCACAG	8060	AQANGKIQLAQ	12649	ANGKIQL	0.22286	0.163533
SyS1545	3472	GCCCAATACAGCAAAGACAGACGACGCACAG	8061	AQYSKDRHDAQ	12650	YSKDRHD	0.22263	0.135905
SyS1546	3473	GCCCAAGACAGCACCAGCAGAGCCTGGGCACAG	8062	AQDSTSRAWAQ	12651	DSTSRAW	0.222511	-0.22891
SyS1547	3474	GCCCAAGGCCTCAGCGTCGCCATCCCCGCACAG	8063	AQGLSVAIPAQ	12652	GLSVAIP	0.222511	-0.22891
SyS1548	3475	GCCCAATCGTATCTTACTAATCATGTGGCACAG	8064	AQSYLTNHVAQ	12653	SYLTNHV	0.222327	-0.20588
SyS1550	3476	GCCCAAGTTATTACGCATAATATGCCTGCACAG	8065	AQVITHNMPAQ	12654	VITHNMP	0.222221	-0.13192
GS894	3477	GCCCAAAACAGAACCCACGTCCCCCAAGCACAG	8066	AQNRTHVPQAQ	12655	NRTHVPQ	0.222189	-0.10995
GS895	3478	GCCCAACTCCAAACCACCAGAGCCGTCGCACAG	8067	AQLQTTRAVAQ	12656	LQTTRAV	0.222058	0.00505
SyS1551	3479	GCCCAAGCCCCCAACGCCATCGACGTCGCACAG	8068	AQAPNAIDVAQ	12657	APNAIDV	0.222003	-0.13677
GS896	3480	GCCCAAGTCAGAGACAACACCGTCTACGCACAG	8069	AQVRDNTVYAQ	12658	VRDNTVY	0.221995	-0.14143
SyS1552	3481	GCCCAAACTCGTATTGGGACGTCGTTGGCACAG	8070	AQTRIGTSLAQ	12659	TRIGTSL	0.221747	-0.01731
SyS1553	3482	GCCCAAACCCTCACCAGCGGCAACGTCGCACAG	8071	AQTLTSGNVAQ	12660	TLTSGNV	0.221657	0.075338
GS897	3483	GCCCAACATCTTGATACTATGCGGGGTGCACAG	8072	AQHLDTMRGAQ	12661	HLDTMRG	0.221624	-0.14743
GS898	3484	GCCCAACTCAGCAGCACCACCCTCAACGCACAG	8073	AQLSSTTLNAQ	12662	LSSTTLN	0.221499	-0.10327
TS166	3485	GCCCAAGTTCAGAGTAATAGGACTAATGCACAG	8074	AQVQSNRTNAQ	12663	VQSNRTN	0.221422	-0.26117
SyS1554	3486	GCCCAAAATAATAATATTACGACGTCTGCACAG	8075	AQNNNITTSAQ	12664	NNNITTS	0.221339	-0.15304
GS899	3487	GCCCAAGTCGGCACCGCCGGCAAACTCGCACAG	8076	AQVGTAGKLAQ	12665	VGTAGKL	0.221334	-0.1471
SyS1555	3488	GCCCAACCCGCCATCAGCACCGACCACGCACAG	8077	AQPAISTDHAQ	12666	PAISTDH	0.22129	-0.17435
GP148	3489	GCCCAAAGTAATCTGGGTAATGTGCCGGCACAG	8078	AQSNLGNVPAQ	12667	SNLGNVP	0.22117	-0.04186
SyS1556	3490	GCCCAACAAACCAAAGCAGATTCACCGCACAG	8079	AQQNQSRFTAQ	12668	QNQSRFT	0.221076	0.133629
GS900	3491	GCCCAAGCTTCTAAGGGTATGACGTTGGCACAG	8080	AQASKGMTLAQ	12669	ASKGMTL	0.221024	-0.11947
SyS1557	3492	GCCCAAGCCACCGCCCAAGACAAAACCGCACAG	8081	AQATAQDKTAQ	12670	ATAQDKT	0.220998	-0.14056
SS100	3493	GCCCAATGGGACAGCAGCAGCGTCAGAGCACAG	8082	AQWDSSSVRAQ	12671	WDSSSVR	0.220864	-0.36436
SyS1558	3494	GCCCAAACGAATGGTAGTGAGAAGAGTGCACAG	8083	AQTNGSEKSAQ	12672	TNGSEKS	0.220858	-0.11495
SyS1560	3495	GCCCAATCTGCTGAGAATCATACGTATGCACAG	8084	AQSAENHTYAQ	12673	SAENHTY	0.220753	-0.21202
SyS1561	3496	GCCCAAAGCGTCCCCCAAGCCTACCAAGCACAG	8085	AQSVPQAYQAQ	12674	SVPQAYQ	0.220753	-0.23296
SyS1562	3497	GCCCAAAAAGACTACGTCGTCACCAACGCACAG	8086	AQKDYVVTNAQ	12675	KDYVVTN	0.220753	-0.23296

도면33cy

SyS1563	3498	GCCCAAGTCGTCCAAATGAAACAAACCGCACAG	8087	AQVVQMKQTAQ	12676	VVQMKQT	0.220688	-0.18405
GS901	3499	GCCCAAAGAACCCTCAGCCTCACCGCCGCACAG	8088	AQRTLSLTAAQ	12677	RTLSLTA	0.220684	-0.171
GS902	3500	GCCCAAAACACCGTCGTCGGCAGCAGCGCACAG	8089	AQNTVVGSSAQ	12678	NTVVGSS	0.220539	-0.15192
GS903	3501	GCCCAATCTTTGAATAGTCCGACGACTGCACAG	8090	AQSLNSPTTAQ	12679	SLNSPTT	0.220388	-0.12331
SyS1564	3502	GCCCAAACCACCGGCATGGACGTCAAAGCACAG	8091	AQTTGMDVKAQ	12680	TTGMDVK	0.220289	-0.06566
GS907	3503	GCCCAAAACAACAGAGACACCACCAACGCACAG	8092	AQNNRDTTNAQ	12681	NNRDTTN	0.220068	-0.11907
GS908	3504	GCCCAATGGGGCAACTACACCCCCACCGCACAG	8093	AQWGNYTPTAQ	12682	WGNYTPT	0.220016	-0.16842
SyS1565	3505	GCCCAAGGGATTACGCGTTCTGATACTGCACAG	8094	AQGITRSDTAQ	12683	GITRSDT	0.219828	-0.01242
GS910	3506	GCCCAACACATCCTCAGAACCCCCGAAGCACAG	8095	AQHILRTPEAQ	12684	HILRTPE	0.219735	-0.1756
GS911	3507	GCCCAACGTTCTGCTAGTGTGGAGAATGCACAG	8096	AQRSASVENAQ	12685	RSASVEN	0.219721	-0.14524
SyS1568	3508	GCCCAAAGCCTCAGCCTCGGCAAAGGCGCACAG	8097	AQSLSLGKGAQ	12686	SLSLGKG	0.219525	-0.0022
SyS1570	3509	GCCCAAAAAAGAGAAGTCGTCGGCGACGGACAG	8098	AQKREVVGDAQ	12687	KREVVGD	0.219431	-0.0561
SyS1571	3510	GCCCAAATCCAACCCAGCAACCACGAAGCACAG	8099	AQIQPSNHEAQ	12688	IQPSNHE	0.219421	-0.16223
GS912	3511	GCCCAAATGAATCTGGGTAATGCGCCGGCACAG	8100	AQMNLGNAPAQ	12689	MNLGNAP	0.219412	-0.18278
SyS1572	3512	GCCCAACAGCCGAATAATACTAATAGTGCACAG	8101	AQQPNNTNSAQ	12690	QPNNTNS	0.219392	-0.15739
GS914	3513	GCCCAACTCCAAAGCATGGTCCAAGGCGCACAG	8102	AQLQSMVQGAQ	12691	LQSMVQG	0.219195	-0.14779
SyS1573	3514	GCCCAACATGGTAATACTACTTCGACTGCACAG	8103	AQHGNTTSTAQ	12692	HGNTTST	0.219043	-0.04692
SyS1576	3515	GCCCAAATCCAAAGCACCGTCACCCTCGCACAG	8104	AQIQSTVTLAQ	12693	IQSTVTL	0.218993	-0.14672
SyS1577	3516	GCCCAAGACGACAGACAAGGCCCCAGAGCACAG	8105	AQDDRQGPRAQ	12694	DDRQGPR	0.218992	-0.13071
SyS1578	3517	GCCCAACAGACGGCTACGAATATTCTGGCACAG	8106	AQQTATNILAQ	12695	QTATNIL	0.218912	-0.22649
GS915	3518	GCCCAACGGCAGCATGCGGATACTGTTGCACAG	8107	AQRQHADTVAQ	12696	RQHADTV	0.218828	-0.10831
GS916	3519	GCCCAAACTAGGTCGGAGAGTTCTCTGGCACAG	8108	AQTRSESSLAQ	12697	TRSESSL	0.218795	-0.16718
GS917	3520	GCCCAACGTGGGCATGATCCGGCTGTGGCACAG	8109	AQRGHDPAVAQ	12698	RGHDPAV	0.218795	-0.16718
SyS1579	3521	GCCCAAAGCACCAGCCAAACCGACCTCGGCACAG	8110	AQSTSQTDLAQ	12699	STSQTDL	0.218784	-0.10958
SyS1580	3522	GCCCAAGTCAGCACCAGCGCCGTCCTCGCACAG	8111	AQVSTSAVLAQ	12700	VSTSAVL	0.218614	-0.10842
SyS1581	3523	GCCCAAAGCATGCCCCCCGAAAGATTCGCACAG	8112	AQSMPPERFAQ	12701	SMPPERF	0.218531	-0.14302
SS104	3524	GCCCAAGTCACCAGCGCCCACCCCGTCGCACAG	8113	AQVTSAHPVAQ	12702	VTSAHPV	0.218414	-0.35519
SyS1582	3525	GCCCAAACCAGCAGACAAGTCGGCCTCGCACAG	8114	AQTSRQVGLAQ	12703	TSRQVGL	0.218414	-0.08585
SyS1583	3526	GCCCAAACTCCGAAGTTTTCTTATGAGGCACAG	8115	AQTPKFSYEAQ	12704	TPKFSYE	0.218414	-0.23133
GS918	3527	GCCCAAAACAGAATGGCCAGCACCATGGCACAG	8116	AQNRMASTMAQ	12705	NRMASTM	0.218278	-0.15766
SyS1584	3528	GCCCAACTCCTCGACAACACCAGACCCGCACAG	8117	AQLLDNTRPAQ	12706	LLDNTRP	0.218247	0.036592
GS919	3529	GCCCAATTGACGACTATTCCTAGTACTGCACAG	8118	AQLTTIPSTAQ	12707	LTTIPST	0.218243	-0.16932

도면33cz

TS168	3530	GCCCAAGCCAACAGAATCAGAGACAACGCACAG	8119	AQANRIRDNAQ	12708	ANRIRDN	0.218215	-0.03931
SyS1585	3531	GCCCAACCCAGAGACATCCAAAGAACCGCACAG	8120	AQPRDIQRTAQ	12709	PRDIQRT	0.218142	-0.00772
GP149	3532	GCCCAAATGCCTCATGGGCTTAAGAATGCACAG	8121	AQMPHGLKNAQ	12710	MPHGLKN	0.218113	-0.06725
SyS1586	3533	GCCCAACCTTTACGCAGAATCATCTTGCACAG	8122	AQPFTQNHLAQ	12711	PFTQNHL	0.218077	-0.16344
SyS1587	3534	GCCCAAAATGCGAATGGTAATACTCGTGCACAG	8123	AQNANGNTRAQ	12712	NANGNTR	0.218042	-0.18163
GS920	3535	GCCCAACTGGCTTATTCTACGTCGGCGGCACAG	8124	AQLAYSTSAAQ	12713	LAYSTSA	0.217974	0.000834
GS921	3536	GCCCAAACCGACAGATACAACATCAAAGCACAG	8125	AQTDRYNIKAQ	12714	TDRYNIK	0.217916	-0.16484
GS922	3537	GCCCAATATGTTACTAGTGCTGAGCATGCACAG	8126	AQYVTSAEHAQ	12715	YVTSAEH	0.217839	-0.1765
GS923	3538	GCCCAAAGTCATCAGCAGACTACGGTTGCACAG	8127	AQSHQQTTVAQ	12716	SHQQTTV	0.217682	-0.10921
SyS1588	3539	GCCCAACTTAATATGCAGACGAGGGGGGCACAG	8128	AQLNMQTRGAQ	12717	LNMQTRG	0.217651	-0.01433
GS925	3540	GCCCAATACACCCCCCAACTCAAAAGCGCACAG	8129	AQYTPQLKSAQ	12718	YTPQLKS	0.217643	-0.17958
SyS1589	3541	GCCCAACAGATTAATGGTCAGGTTATTGCACAG	8130	AQQINGQVIAQ	12719	QINGQVI	0.217561	-0.20466
GS926	3542	GCCCAAACGCGTGAGGGTGTGTTGCCTGCACAG	8131	AQTREGVLPAQ	12720	TREGVLP	0.217502	-0.13952
SyS1591	3543	GCCCAAGTTCATCAGTCGGTGCCGCTGGCACAG	8132	AQVHQSVPLAQ	12721	VHQSVPL	0.217352	-0.17314
SyS1592	3544	GCCCAACCGTATTCGATGGGGCATCCTGCACAG	8133	AQPYSMGHPAQ	12722	PYSMGHP	0.217352	-0.17314
GS927	3545	GCCCAAGGCACCAAAACCCACAGCCTCGCACAG	8134	AQGTKTHSLAQ	12723	GTKTHSL	0.217339	-0.14906
SyS1595	3546	GCCCAAACGCTGACTACGGGGTCGAAGGCACAG	8135	AQTLTTGSKAQ	12724	TLTTGSK	0.217166	-0.04194
GS928	3547	GCCCAATTTACGATTGGTGTTACGGGGGCACAG	8136	AQFTIGVTGAQ	12725	FTIGVTG	0.21713	-0.0827
GS930	3548	GCCCAACTCAGCAGCCACAACCACACAACGCACAG	8137	AQLSSHNHNAQ	12726	LSSHNHN	0.216901	-0.13284
SyS1596	3549	GCCCAAACCGGCAAAATGCCCCTCGAAGCACAG	8138	AQTGKMPLEAQ	12727	TGKMPLE	0.216862	-0.14056
GS931	3550	GCCCAAACTGCGAATCCTCATGCGACTGCACAG	8139	AQTANPHATAQ	12728	TANPHAT	0.216859	-0.04999
SyS1597	3551	GCCCAACACGACAGCGTCGCCAGCAGCGCACAG	8140	AQHDSVASSAQ	12729	HDSVASS	0.216844	-0.154
GS932	3552	GCCCAAACGCGTGCGGATGTGTTGATGGCACAG	8141	AQTRADVLMAQ	12730	TRADVLM	0.216806	-0.13761
GS933	3553	GCCCAAGCTAATCATGCTTCTAATGCGGCACAG	8142	AQANHASNAAQ	12731	ANHASNA	0.216449	-0.09199
SyS1599	3554	GCCCAAAGCCACATCGTCGGCGTCGAAGCACAG	8143	AQSHIVGVEAQ	12732	SHIVGVE	0.216347	0.074638
GS934	3555	GCCCAATACACCGCCCAAAAAACCAGCGCACAG	8144	AQYTAQKTSAQ	12733	YTAQKTS	0.2162	-0.16573
SyS1600	3556	GCCCAATTGCCTGCTGTGCAGAAGATGGCACAG	8145	AQLPAVQKMAQ	12734	LPAVQKM	0.216175	-0.12465
SyS1601	3557	GCCCAATCTGGTATTCAGACGGCTAAGGCACAG	8146	AQSGIQTAKAQ	12735	SGIQTAK	0.215988	-0.14283
GS935	3558	GCCCAAGATCCGGTGAAGATTGGTCATGCACAG	8147	AQDPVKIGHAQ	12736	DPVKIGH	0.215963	-0.16125
GS936	3559	GCCCAAAGTCAGACTATGAGTAAGAGTGCACAG	8148	AQSQTMSKSAQ	12737	SQTMSKS	0.215809	-0.07639
SyS1602	3560	GCCCAAAGCCTCACCCCCACCAACATCGCACAG	8149	AQSLTPTNIAQ	12738	SLTPTNI	0.215809	-0.0396
GS937	3561	GCCCAATATCTTAATAATACGAATTCTGCACAG	8150	AQYLNNTNSAQ	12739	YLNNTNS	0.215545	-0.18054

도면33da

GS938	3562	GCCCAAATGACCAGAATGAGCCAAAACGCACAG	8151	AQMTRMSQNAQ	12740	MTRMSQN	0.215545	-0.18054
GS939	3563	GCCCAAGTCAACCAAAGCCTCAGCAGAGCACAG	8152	AQVNQSLSRAQ	12741	VNQSLSR	0.215514	-0.03828
GS940	3564	GCCCAAAGAACCGTCACCGACAACAGAGCACAG	8153	AQRTVTDNRAQ	12742	RTVTDNR	0.21543	-0.10655
SyS1603	3565	GCCCAAATTACTGGGGTGTTTGCTAATGCACAG	8154	AQITGVFANAQ	12743	ITGVFAN	0.215212	-0.05959
SyS1604	3566	GCCCAATCGCCTGGGCTGAGTAGGGTTGCACAG	8155	AQSPGLSRVAQ	12744	SPGLSRV	0.215048	-0.09636
GP151	3567	GCCCAAGTGGTGAATCCTCAGACTAGGGCACAG	8156	AQVVNPQTRAQ	12745	VVNPQTR	0.214905	-0.06586
SyS1606	3568	GCCCAATGGAGCCAAAGCCTCAGCGCCGCACAG	8157	AQWSQSLSAAQ	12746	WSQSLSA	0.214764	-0.14405
SyS1607	3569	GCCCAACCCAGAGACGCCAGCAACGACGCACAG	8158	AQPRDASNDAQ	12747	PRDASND	0.214659	-0.20224
GS942	3570	GCCCAATACACCAGCATGACCGAATTCGCACAG	8159	AQYTSMTEFAQ	12748	YTSMTEF	0.214654	-0.17112
SS106	3571	GCCCAAAACAACAGCCCCAGCCCCAGAGCACAG	8160	AQNNSPSPRAQ	12749	NNSPSPR	0.214625	-0.35665
SyS1608	3572	GCCCAAAACAGCCTCAGCCACGGCGACGCACAG	8161	AQNSLSHGDAQ	12750	NSLSHGD	0.21457	-0.10404
SyS1609	3573	GCCCAAAGAGTCGCCGGCGAAATGGCCGCACAG	8162	AQRVAGEMAAQ	12751	RVAGEMA	0.214459	0.040653
GS943	3574	GCCCAAGGTATTGGGTCTAGGGAGCTTGCACAG	8163	AQGIGSRELAQ	12752	GIGSREL	0.214321	-0.1462
SyS1610	3575	GCCCAATATGTTAGTCGTATTCGTGATGCACAG	8164	AQYVSRIRDAQ	12753	YVSRIRD	0.214067	-0.19375
SyS1611	3576	GCCCAATACCCCAGCCCCAACGACAACGCACAG	8165	AQYPSPNDNAQ	12754	YPSPNDN	0.213993	-0.16708
SyS1612	3577	GCCCAACTTCAGAGGACGGCGCATAATGCACAG	8166	AQLQRTAHNAQ	12755	LQRTAHN	0.213963	-0.15374
SyS1613	3578	GCCCAACTCGACAGCCTCAGCAGACACGCACAG	8167	AQLDSLSRHAQ	12756	LDSLSRH	0.213963	-0.15374
GS945	3579	GCCCAAACCCAAAATCAGCGCCGGCAGCGCACAG	8168	AQTKISAGSAQ	12757	TKISAGS	0.21391	-0.10628
SyS1614	3580	GCCCAAAAAGACAACAGCCCCCGTCGTCGCACAG	8169	AQKDNSPVVAQ	12758	KDNSPVV	0.213893	-0.11374
SyS1615	3581	GCCCAAACCGGCCAAGGCAGCAGCCTCGCACAG	8170	AQTGQGSSLAQ	12759	TGQGSSL	0.213721	-0.16397
SyS1617	3582	GCCCAAGATACGCATCTGAGTCGTCATGCACAG	8171	AQDTHLSRHAQ	12760	DTHLSRH	0.213534	-0.21194
SyS1618	3583	GCCCAAGATATTGTTAGGAGGCAGGCTGCACAG	8172	AQDIVRRQAAQ	12761	DIVRRQA	0.213267	-0.03009
SyS1619	3584	GCCCAAGCTATGAAGTATGCGCAGACTGCACAG	8173	AQAMKYAQTAQ	12762	AMKYAQT	0.213114	-0.15011
SyS1620	3585	GCCCAAAGGCTGGCTGATCAGCATCCGGCACAG	8174	AQRLADQHPAQ	12763	RLADQHP	0.213086	-0.20093
SyS1621	3586	GCCCAAGCTCCTGATAGTACTCGGATGGCACAG	8175	AQAPDSTRMAQ	12764	APDSTRM	0.213044	0.014524
SyS1622	3587	GCCCAAAGTCGGGTTTCTCCTTCTTCGGCACAG	8176	AQSRVSPSSAQ	12765	SRVSPSS	0.213013	0.008275
GS949	3588	GCCCAAGTGCATGGTCAGGGTGAGCCTGCACAG	8177	AQVHGQGEPAQ	12766	VHGQGEP	0.212959	-0.1765
SyS1623	3589	GCCCAAATGAGAGACAGCAGCACCAGAGCACAG	8178	AQMRDSSTRAQ	12767	MRDSSTR	0.21283	0.073268
GS951	3590	GCCCAATGGCCCCAACACACCAACACCGCACAG	8179	AQWPQHTNTAQ	12768	WPQHTNT	0.212527	-0.15855
GS952	3591	GCCCAAGTCGGCAGCTACCCCGTCACCGCACAG	8180	AQVGSYPVTAQ	12769	VGSYPVT	0.21252	0.007456
SyS1625	3592	GCCCAAACTGCGACTCAGGGGGCTAATGCACAG	8181	AQTATQGANAQ	12770	TATQGAN	0.212372	-0.07076
SyS1626	3593	GCCCAAAAGAATAATAGTATGGATAGTGCACAG	8182	AQKNNSMDSAQ	12771	KNNSMDS	0.212366	-0.12084

도면33db

SyS1628	3594	GCCCAACACACCAACGCCGTCAAAGAAGCACAG	8183	AQHTNAVKEAQ	12772	HTNAVKE	0.212319	0.211829
GS953	3595	GCCCAACTTCATTCGGTGACTACGCCGGCACAG	8184	AQLHSVTTPAQ	12773	LHSVTTP	0.212166	-0.0828
SyS1629	3596	GCCCAAGCCCCCGGCCAACAAAACTTCGCACAG	8185	AQAPGQQNFAQ	12774	APGQQNF	0.212026	0.059715
GS955	3597	GCCCAATCTTATACTAATCGTACTATGGCACAG	8186	AQSYTNRTMAQ	12775	SYTNRTM	0.211833	-0.0714
SyS1632	3598	GCCCAATCGGGTCAGAGTAATACGAAGGCACAG	8187	AQSGQSNTKAQ	12776	SGQSNTK	0.211749	-0.18984
SyS1633	3599	GCCCAAGACAGCTACAGAGCCCAAAGCGCACAG	8188	AQDSYRAQSAQ	12777	DSYRAQS	0.211749	-0.02105
SyS1634	3600	GCCCAAATGTATAAGCATAATTCTGATGCACAG	8189	AQMYKHNSDAQ	12778	MYKHNSD	0.211732	-0.06767
GS957	3601	GCCCAAAGCCTCGCCATGGTCAACCCCGCACAG	8190	AQSLAMVNPAQ	12779	SLAMVNP	0.211678	-0.17768
SyS1635	3602	GCCCAACCCCTCACCAGCAAAAGCATGGCACAG	8191	AQPLTSKSMAQ	12780	PLTSKSM	0.211599	0.023996
GS958	3603	GCCCAACTCGGCGCCCAACCCCACCCCGCACAG	8192	AQLGAQPTPAQ	12781	LGAQPTP	0.211205	-0.15955
GS959	3604	GCCCAAGAAGGCAACCAAAAACCCCAAGCACAG	8193	AQEGNQKPQAQ	12782	EGNQKPQ	0.211139	-0.18637
SyP56	3605	GCCCAACAGGTTCGGCCGGGTGCTCATGCACAG	8194	AQQVRPGAHAQ	12783	QVRPGAH	0.211056	-0.04396
GS962	3606	GCCCAAAGCGGCAACATCACCGCCATGGCACAG	8195	AQSGNITAMAQ	12784	SGNITAM	0.210967	-0.16842
SyS1637	3607	GCCCAAAACGACAGCAAAATCGCCGAAGCACAG	8196	AQNDSKIAEAQ	12785	NDSKIAE	0.210955	-0.2305
SyS1638	3608	GCCCAAATCATGAAAAACGAACACAACGCACAG	8197	AQIMKNEHNAQ	12786	IMKNEHN	0.210886	-0.16102
GS963	3609	GCCCAACTTTGACGAATACTGATCGGGCACAG	8198	AQLLTNTDRAQ	12787	LLTNTDR	0.210857	-0.16432
SyS1640	3610	GCCCAAGATACGGCGCAGAGTCGTAATGCACAG	8199	AQDTAQSRNAQ	12788	DTAQSRN	0.210588	0.341933
SyS1641	3611	GCCCAAATTGATCATGGTAAGACGAATGCACAG	8200	AQIDHGKTNAQ	12789	IDHGKTN	0.210574	-0.15253
GS964	3612	GCCCAAACCAGCCCCAGAAGCCTCCTCGCACAG	8201	AQTSPRSLLAQ	12790	TSPRSLL	0.210515	-0.15764
GS965	3613	GCCCAATCGAATCCTCGGGATTCTAGTGCACAG	8202	AQSNPRDSSAQ	12791	SNPRDSS	0.210308	-0.12807
SyS1643	3614	GCCCAAATCATGCAAAGCATCCAAAACGCACAG	8203	AQIMQSIQNAQ	12792	IMQSIQN	0.210287	-0.14405
GS966	3615	GCCCAAAAAGTCAGCCCCAGCAGCACCGCACAG	8204	AQKVSPSSTAQ	12793	KVSPSST	0.210279	-0.06417
SyS1645	3616	GCCCAAACCGGCCCCAGCCCCAGCCTCGCACAG	8205	AQTGPSPSLAQ	12794	TGPSPSL	0.210228	-0.17505
SyS1646	3617	GCCCAAGGCGCCGCCAGAGCCCAAGCCGCACAG	8206	AQGAARAQAAQ	12795	GAARAQA	0.210219	0.035379
GS967	3618	GCCCAAAAGTTTCAGTCTCCTGAGCCTGCACAG	8207	AQKFQSPEPAQ	12796	KFQSPEP	0.210082	-0.18009
SyS1647	3619	GCCCAAATGGCGACGAATTCGACGGAGGCACAG	8208	AQMATNSTEAQ	12797	MATNSTE	0.210073	-0.15738
GS968	3620	GCCCAAAACGTCCTCACCAACATCAGCGCACAG	8209	AQNVLTNISAQ	12798	NVLTNIS	0.210069	-0.17386
SS112	3621	GCCCAAAAGAATGGTATGAATTTGGTGGCACAG	8210	AQKNGMNLVAQ	12799	KNGMNLV	0.210013	-0.32377
SyS1649	3622	GCCCAAACTCCTACGCAGCCTTCTAGTGCACAG	8211	AQTPTQPSSAQ	12800	TPTQPSS	0.209867	-0.19254
SyS1650	3623	GCCCAAACTAAGGAGCTTGTTATTCATGCACAG	8212	AQTKELVIHAQ	12801	TKELVIH	0.209867	-0.19254
SyS1651	3624	GCCCAAATCATGAACCAAAGCGTCCAAGCACAG	8213	AQIMNQSVQAQ	12802	IMNQSVQ	0.209715	-0.03979
SyS1653	3625	GCCCAAGTGTCTAATGCTAGGGATAAGGCACAG	8214	AQVSNARDKAQ	12803	VSNARDK	0.209549	-0.14041

도면33dc

TS169	3626	GCCCAAAGTAATCATACGCGGTCGTATGCACAG	8215	AQSNHTRSYAQ	12804	SNHTRSY	0.20947	-0.21368
GS971	3627	GCCCAACACACCGACAGACTCAACCCCGCACAG	8216	AQHTDRLNPAQ	12805	HTDRLNP	0.209344	-0.14238
SyS1654	3628	GCCCAAGCCGCCCCCAGCATGAGCGACGCACAG	8217	AQAAPSMSDAQ	12806	AAPSMSD	0.209262	-0.17557
GS972	3629	GCCCAATTTTCGAATACGCATGCTTTGGCACAG	8218	AQFSNTHALAQ	12807	FSNTHAL	0.209156	-0.17381
SyS1655	3630	GCCCAAGCTCATGATCTGCATCGTGTGGCACAG	8219	AQAHDLHRVAQ	12808	AHDLHRV	0.209091	-0.17998
SyS1656	3631	GCCCAACTTCAGGTTAATCATGTGGCGGCACAG	8220	AQLQVNHVAAQ	12809	LQVNHVA	0.209057	-0.14526
SyS1657	3632	GCCCAAAGCGGCCCCAACCTCAGCAGAGCACAG	8221	AQSGPNLSRAQ	12810	SGPNLSR	0.209039	0.179343
GS974	3633	GCCCAAACTTATACGTCGACGCCTGGTGCACAG	8222	AQTYTSTPGAQ	12811	TYTSTPG	0.209033	-0.13253
GS975	3634	GCCCAATATGGTACTCCTCCTTCGACGGCACAG	8223	AQYGTPPSTAQ	12812	YGTPPST	0.209029	-0.11621
SyS1658	3635	GCCCAATATGGTGTGAGTTCGGGTAGTGCACAG	8224	AQYGVSSGSAQ	12813	YGVSSGS	0.209	-0.07131
SyS1659	3636	GCCCAACCCACCAGAGACCTCATGAGCGCACAG	8225	AQPTRDLMSAQ	12814	PTRDLMS	0.209	-0.16708
SyS1660	3637	GCCCAAAAGATTGATGCGATGACGGCAGGCACAG	8226	AQKIDAMTQAQ	12815	KIDAMTQ	0.208964	-0.12454
GS976	3638	GCCCAAAGAATGGGCACCAGCGAAGTCGCACAG	8227	AQRIGTSEVAQ	12816	RIGTSEV	0.208937	-0.10921
GS977	3639	GCCCAATTTGATCCTCTTCAGTCGTCGGCACAG	8228	AQFDPLQSSAQ	12817	FDPLQSS	0.208624	-0.13472
SyS1662	3640	GCCCAACTCCTCCACCACGTCGAAGTCGCACAG	8229	AQLLHHVEVAQ	12818	LLHHVEV	0.208542	-0.15011
GS978	3641	GCCCAAGTCACCCTCGGCAACAGCGTCGCACAG	8230	AQVTLGNSVAQ	12819	VTLGNSV	0.208389	-0.14524
SyS1663	3642	GCCCAACTCCTCAACGACAGAAGCGTCGCACAG	8231	AQLLNDRSVAQ	12820	LLNDRSV	0.208296	-0.09749
GS979	3643	GCCCAATTCGTCGACAGAAGACCCCAAGCACAG	8232	AQFVDRRPQAQ	12821	FVDRRPQ	0.207955	-0.00471
SyS1664	3644	GCCCAAACGAATGTGACTACGACGACGGCACAG	8233	AQTNVTTTTAQ	12822	TNVTTTT	0.207819	-0.05555
SyS1665	3645	GCCCAAGACGAAACCAACAAAAGATGGGCACAG	8234	AQDETNKRWAQ	12823	DETNKRW	0.207819	-0.20709
SyS1666	3646	GCCCAAACGTCGACGTCTGCTATTCGGGCACAG	8235	AQTSTSAIRAQ	12824	TSTSAIR	0.207608	-0.1626
SyS1668	3647	GCCCAAGGCACCAGCAGAGTCCAAGGCGCACAG	8236	AQGTSRVQGAQ	12825	GTSRVQG	0.207468	0.069325
SyS1669	3648	GCCCAACTCAACACCATGGCCCTCCCGCACAG	8237	AQLNTMALPAQ	12826	LNTMALP	0.207441	-0.15981
SyS1671	3649	GCCCAAAGTACTCATGCGACTGATAGGGCACAG	8238	AQSTHATDRAQ	12827	STHATDR	0.207437	0.052678
SyS1672	3650	GCCCAACACCAGGCGTCACCAGCGGCGCACAG	8239	AQHHGVTSGAQ	12828	HHGVTSG	0.207346	-0.13809
SyS1674	3651	GCCCAAGGCCTCATGGCCAACAACCCCGCACAG	8240	AQGLMANNPAQ	12829	GLMANNP	0.207257	-0.19723
SyS1675	3652	GCCCAAGGGTCTTCGTCTAATTCGTTTGCACAG	8241	AQGSSSNSFAQ	12830	GSSSNSF	0.207096	-0.03155
GS985	3653	GCCCAAAGAGAAAAAATGACCCTCCTCGCACAG	8242	AQREKMTLLAQ	12831	REKMTLL	0.207031	-0.18368
SyS1676	3654	GCCCAAAGCCCCGTCAGCAGCGACAGCGCACAG	8243	AQSPVSSDSAQ	12832	SPVSSDS	0.206943	-0.18954
SyS1679	3655	GCCCAAGACGTCGCCCACAAAGACAGAGCACAG	8244	AQDVAHKDRAQ	12833	DVAHKDR	0.206739	-0.10729
SyS1680	3656	GCCCAAAGTATGGTTCTAATATTGCGGCACAG	8245	AQSMVSNIAAQ	12834	SMVSNIA	0.206728	-0.08096
GS986	3657	GCCCAAATGATGCATAATATGCAGTCTGCACAG	8246	AQMMHNMQSAQ	12835	MMHNMQS	0.20664	-0.13284

도면33dd

GS987	3658	GCCCAAGTGTCGAATTCTTCTCGGATGGCACAG	8247	AQVSNSSRMAQ	12836	VSNSSRM	0.20658	-0.16842
GS988	3659	GCCCAATATACGGCTACTAAGGCGAGTGCACAG	8248	AQYTATKASAQ	12837	YTATKAS	0.206493	-0.1442
GS989	3660	GCCCAAAGCACCAGCGGCGGCGTCAGAGCACAG	8249	AQSTSGGVRAQ	12838	STSGGVR	0.206367	-0.11215
SyS1681	3661	GCCCAATTTACTAGGGCTGAGCCTGCGGCACAG	8250	AQFTRAEPAAQ	12839	FTRAEPA	0.206339	-0.13071
SyS1682	3662	GCCCAACCTATTACGAGGGGTACTATTGCACAG	8251	AQPITRGTIAQ	12840	PITRGTI	0.206234	-0.16951
SyS1683	3663	GCCCAATACCACAACAGCATGCTCGGCGCACAG	8252	AQYHNSMLGAQ	12841	YHNSMLG	0.206136	-0.11374
GP153	3664	GCCCAAAGTAATAGTCCGGGTAATGCTGCACAG	8253	AQSNSPGNAAQ	12842	SNSPGNA	0.205916	-0.06579
GS990	3665	GCCCAACAAAAAGGCGTCCAACTCCCCGCACAG	8254	AQQKGVQLPAQ	12843	QKGVQLP	0.205912	-0.01992
GS991	3666	GCCCAACGTAGTGAGACTAATAATACTGCACAG	8255	AQRSETNNTAQ	12844	RSETNNT	0.205906	-0.18637
SyS1685	3667	GCCCAAGTGGATCAGATGCTGGCTCCTGCACAG	8256	AQVDQMLAPAQ	12845	VDQMLAP	0.205805	-0.19133
GS992	3668	GCCCAACAAACCAGACACACCAGCATGGCACAG	8257	AQQTRHTSMAQ	12846	QTRHTSM	0.205758	-0.12266
SyS1686	3669	GCCCAAATGCACGCCGACAGAGCCCTCGCACAG	8258	AQMHADRALAQ	12847	MHADRAL	0.205735	-0.12963
GS994	3670	GCCCAATCGACTACGCATGCTCCTAAGGCACAG	8259	AQSTTHAPKAQ	12848	STTHAPK	0.205535	-0.12148
SyS1687	3671	GCCCAATCTAATCAGACTATTATGACGGCACAG	8260	AQSNQTIMTAQ	12849	SNQTIMT	0.205491	-0.16587
GS995	3672	GCCCAAGTTTCTTCGCCTTCTGGTCTGGCACAG	8261	AQVSSPSGLAQ	12850	VSSPSGL	0.205479	-0.14665
SyS1689	3673	GCCCAAAAAAGAGGCGAAGAAATGGTCGCACAG	8262	AQKRGEEMVAQ	12851	KRGEEMV	0.205315	-0.19477
SyS1690	3674	GCCCAACAGGATAGTGGGAATAGTTATGCACAG	8263	AQQDSGNSYAQ	12852	QDSGNSY	0.205249	-0.21315
SyS1691	3675	GCCCAAAGCCACGCCACCACCGGCGGCGCACAG	8264	AQSHATTGGAQ	12853	SHATTGG	0.205059	-0.19618
SyS1693	3676	GCCCAAAAGCTGAGTGAGACGTCTCATGCACAG	8265	AQKLSETSHAQ	12854	KLSETSH	0.205006	-0.21448
SyS1694	3677	GCCCAACTTAATTATAAGGAGGCGCCGGCACAG	8266	AQLNYKEAPAQ	12855	LNYKEAP	0.204978	-0.18769
SyS1695	3678	GCCCAAAGCGTCGACAGCGTCAGACTCGCACAG	8267	AQSVDSVRLAQ	12856	SVDSVRL	0.20496	-0.08842
SyS1697	3679	GCCCAACAACCCAACGTCATCCAAACCGCACAG	8268	AQQPNVIQTAQ	12857	QPNVIQT	0.204872	0.059518
GS996	3680	GCCCAACGTATGACTAATTTGCAGACTGCACAG	8269	AQRMTNLQTAQ	12858	RMTNLQT	0.20474	-0.17863
SyS1698	3681	GCCCAAGCCACCCCCGGCGGCAGCGGCGCACAG	8270	AQATPGGSGAQ	12859	ATPGGSG	0.204721	-0.15374
SyS1699	3682	GCCCAAGACGTCAACAGCATGAGCAGCGCACAG	8271	AQDVNSMSSAQ	12860	DVNSMSS	0.204599	-0.23419
SyS1700	3683	GCCCAATTGCCTCGTAGTCATCTTGATGCACAG	8272	AQLPRSHLDAQ	12861	LPRSHLD	0.204525	-0.13316
SyS1701	3684	GCCCAACCCGCCCCCAGATACGACAAAGCACAG	8273	AQPAPRYDKAQ	12862	PAPRYDK	0.204501	-0.09014
SyS1703	3685	GCCCAAAGAAACTACAGCGACAAAGACGCACAG	8274	AQRNYSDKDAQ	12863	RNYSDKD	0.204317	0.088722
SyS1704	3686	GCCCAAAGTGAGAATCTTTGAGTCGTGCACAG	8275	AQSENLLSRAQ	12864	SENLLSR	0.204317	-0.20951
GS997	3687	GCCCAAAGTAGTCTTAATATGAAGGATGCACAG	8276	AQSSLNMKDAQ	12865	SSLNMKD	0.204292	-0.11279
GS998	3688	GCCCAAAGCGACAAAGAATACGGCAGAGCACAG	8277	AQSDKEYGRAQ	12866	SDKEYGR	0.204204	-0.15001
GS999	3689	GCCCAATACGTCAGCCAAAGCGGCATGGCACAG	8278	AQYVSQSGMAQ	12867	YVSQSGM	0.204064	-0.17672

도면33de

GS1000	3690	GCCCAAAACGTCGTCAGCGTCAGACAAGCACAG	8279	AQNVVSVRQAQ	12868	NVVSVRQ	0.204038	-0.16753
SyS1705	3691	GCCCAAACGGGTAAGGAGGGTCGGACTGCACAG	8280	AQTGKEGRTAQ	12869	TGKEGRT	0.203988	-0.05387
GS1001	3692	GCCCAATTTAAGAATACTGTGGCGACTGCACAG	8281	AQFKNTVATAQ	12870	FKNTVAT	0.203984	-0.13702
SyS1706	3693	GCCCAAGGCAGCAGAAGCCCAGCAGCGCACAG	8282	AQGSREPSSAQ	12871	GSREPSS	0.203966	-0.2268
SyS1707	3694	GCCCAAAGAGAAAAAGTCAGCACCCCCGCACAG	8283	AQREKVSTPAQ	12872	REKVSTP	0.20368	0.088388
GP154	3695	GCCCAACAGGAGCCTGCTAGGCATAATGCACAG	8284	AQQEPARHNAQ	12873	QEPARHN	0.203631	-0.07336
GS1002	3696	GCCCAAACTAGTCATTCGAATGGTCGTGCACAG	8285	AQTSHSNGRAQ	12874	TSHSNGR	0.203484	-0.09149
SyS1708	3697	GCCCAAGACCTCAGCAGCCCCAAAATGGCACAG	8286	AQDLSSPKMAQ	12875	DLSSPKM	0.203432	-0.06161
SyS1709	3698	GCCCAACTCGCCACCACCCCCAAACCCGCACAG	8287	AQLATTPKPAQ	12876	LATTPKP	0.203432	-0.11253
SyS1710	3699	GCCCAAAGCGGCCCCAACGTCAGCCTCGCACAG	8288	AQSGPNVSLAQ	12877	SGPNVSL	0.203432	-0.16344
SyS1711	3700	GCCCAACCCGTCTACAACGCCAGCCCCGCACAG	8289	AQPVYNASPAQ	12878	PVYNASP	0.203401	-0.21941
SyS1712	3701	GCCCAAAATTCTACTACTTGGTGATGGCACAG	8290	AQNSTTLVMAQ	12879	NSTTLVM	0.203291	-0.10908
SyS1713	3702	GCCCAAAGAAACGCCGTCGTCAGCATGGCACAG	8291	AQRNAVVSMAQ	12880	RNAVVSM	0.203173	-0.1307
SP38	3703	GCCCAAAAGGATCTTCTGGCTAAGCTTGCACAG	8292	AQKDLLAKLAQ	12881	KDLLAKL	0.203052	-0.0513
SyS1715	3704	GCCCAACCCCACGAAGGCAGCAGCAGAGCACAG	8293	AQPHEGSSRAQ	12882	PHEGSSR	0.202954	-0.08343
SyS1716	3705	GCCCAACGGGATACGGTTTCGCGTTATGCACAG	8294	AQRDTVSRYAQ	12883	RDTVSRY	0.20293	-0.15411
SyS1717	3706	GCCCAAGGCCAAGCCGCCCAAGGCCACGCACAG	8295	AQGQAAQGHAQ	12884	GQAAQGH	0.202823	-0.14283
SyS1718	3707	GCCCAAAGGGCTGAGACTGCTCATGTGGCACAG	8296	AQRAETAHVAQ	12885	RAETAHV	0.202798	-0.15132
SyS1720	3708	GCCCAAGAAAACAGAACCGTCCCCACCGCACAG	8297	AQENRTVPTAQ	12886	ENRTVPT	0.202755	0.23929
GS1004	3709	GCCCAAAGTAGTAATGATGCGAGGGTGGCACAG	8298	AQSSNDARVAQ	12887	SSNDARV	0.202721	-0.1747
SyS1721	3710	GCCCAACCCGGCCAAGTCGACAGAAGAGCACAG	8299	AQPGQVDRRAQ	12888	PGQVDRR	0.202674	-0.18527
SyS1723	3711	GCCCAAGGCCCCGGCGCCAACACCACCGCACAG	8300	AQGPGANTTAQ	12889	GPGANTT	0.202623	-0.17752
SyS1724	3712	GCCCAAATGCCCGAAAACCTCAAAGAAGCACAG	8301	AQMPENLKEAQ	12890	MPENLKE	0.202544	-0.21072
GS1005	3713	GCCCAAACGAATGCGGTGGCTTCTAATGCACAG	8302	AQTNAVASNAQ	12891	TNAVASN	0.202544	-0.12235
GS1006	3714	GCCCAATACGGCAAAATCGAACTCTACGCACAG	8303	AQYGKIELYAQ	12892	YGKIELY	0.202395	-0.17919
SyS1725	3715	GCCCAAAATCCGAATGGTACGGGTTTTGCACAG	8304	AQNPNGTGFAQ	12893	NPNGTGF	0.202346	-0.1784
GS1007	3716	GCCCAATCTCGGAATACTATGGGTTCGGCACAG	8305	AQSRNTMGSAQ	12894	SRNTMGS	0.202244	-0.11377
GS1008	3717	GCCCAACCGAGTCATGGGATTACGGCTGCACAG	8306	AQPSHGITAAQ	12895	PSHGITA	0.202231	-0.10748
SyS1726	3718	GCCCAATTGGAGACGCTGAGGGGGCCTGCACAG	8307	AQLETLRGPAQ	12896	LETLRGP	0.202095	-0.0594
SyS1727	3719	GCCCAAGATCGTTCTCCTGATATTAGGGCACAG	8308	AQDRSPDIRAQ	12897	DRSPDIR	0.202025	-0.19723
SyS1728	3720	GCCCAAAAGGATTTGGCGTCTGCGAAGGCACAG	8309	AQKDLASAKAQ	12898	KDLASAK	0.201927	-0.22803
SyS1729	3721	GCCCAAATCACCAGCCACGGCAACAGCGCACAG	8310	AQITSHGNSAQ	12899	ITSHGNS	0.201888	0.12116

도면33df

GS1009	3722	GCCCAACATTCTAAGATGCCTTCTACGGCACAG	8311	AQHSKMPSTAQ	12900	HSKMPST	0.201887	-0.16214
GS1010	3723	GCCCAAATTGCGACTTTTACGACGGCGGCACAG	8312	AQIATFTTAAQ	12901	IATFTTA	0.201795	-0.08442
SyS1730	3724	GCCCAAGCGGCGTCTGGGTATCTTAATGCACAG	8313	AQAASGYLNAQ	12902	AASGYLN	0.201793	-0.1986
SyS1731	3725	GCCCAAGATAGTGTTAGGCCGGCTATTGCACAG	8314	AQDSVRPAIAQ	12903	DSVRPAI	0.201702	-0.20709
SyS1732	3726	GCCCAAAGACTCAGCGAAGAAATGAGAGCACAG	8315	AQRLSEEMRAQ	12904	RLSEEMR	0.201693	-0.22434
SyS1733	3727	GCCCAACTCCCCATCAGCGCCACCGAAGCACAG	8316	AQLPISATEAQ	12905	LPISATE	0.201693	-0.22434
SyS1734	3728	GCCCAATCTAATGTGGCGGCTCAGATGGCACAG	8317	AQSNVAAQMAQ	12906	SNVAAQM	0.2016	-0.21557
SyS1735	3729	GCCCAATATCAGTCGCTGATTTCTGAGGCACAG	8318	AQYQSLISEAQ	12907	YQSLISE	0.2016	-0.21557
SyS1737	3730	GCCCAATATCAGAGTGGGTATGATAAGGCACAG	8319	AQYQSGYDKAQ	12908	YQSGYDK	0.201403	-0.07145
SyS1738	3731	GCCCAACTCAGAACCGGCGAACTCACCGCACAG	8320	AQLRTGELTAQ	12909	LRTGELT	0.201143	-0.02579
SyS1739	3732	GCCCAACCGGCGACGAATAATATGCGGGCACAG	8321	AQPATNNMRAQ	12910	PATNNMR	0.201063	-0.21325
SyS1740	3733	GCCCAAGTCAGCAGCAAATTCAGCGCACAG	8322	AQVSSSKFSAQ	12911	VSSSKFS	0.201033	-0.08585
SyS1741	3734	GCCCAAACTACGCTGCTTGATAAGGCTGCACAG	8323	AQTTLLDKAAQ	12912	TTLLDKA	0.201033	-0.19496
SyS1742	3735	GCCCAAAGCCCCGCCCTCCACCCCAGCGCACAG	8324	AQSPALHPSAQ	12913	SPALHPS	0.201033	-0.19496
SyS1743	3736	GCCCAATTCAACCACAACAGAACCGACGCACAG	8325	AQFNHNRTDAQ	12914	FNHNRTD	0.200936	-0.13686
GS1013	3737	GCCCAAGCCCGAAAAAACCGCCAACGGCGCACAG	8326	AQAEKTANGAQ	12915	AEKTANG	0.200841	-0.1756
GS1014	3738	GCCCAAAATCTGCGTGTGACGGCTTCGGCACAG	8327	AQNLRVTASAQ	12916	NLRVTAS	0.200801	-0.08207
GS1015	3739	GCCCAAATGAAGGATGGGTCGCGGATTGCACAG	8328	AQMKDGSRIAQ	12917	MKDGSRI	0.200699	-0.14334
SyS1744	3740	GCCCAAAGAATCGGCGCCAACGCCACCGCACAG	8329	AQRIGANATAQ	12918	RIGANAT	0.200534	0.065728
GS1018	3741	GCCCAAGCCAACCTCACCCCCAACAGAGCACAG	8330	AQANLTPNRAQ	12919	ANLTPNR	0.20043	-0.18009
SyP58	3742	GCCCAATCGGTGTCTGATAAGAGTCATGCACAG	8331	AQSVSDKSHAQ	12920	SVSDKSH	0.200325	-0.03907
SyS1745	3743	GCCCAATACAGCACCCTCCACACCGCCGGCACAG	8332	AQYSTLHTAAQ	12921	YSTLHTA	0.200268	0.146915
SyS1747	3744	GCCCAAACGAAGTTTGGTGGTATTCAGGCACAG	8333	AQTKFGGIQAQ	12922	TKFGGIQ	0.200153	0.040003
GS1019	3745	GCCCAAGACATCCCCAAAGGCAGCAGCGCACAG	8334	AQDIPKGSSAQ	12923	DIPKGSS	0.200135	-0.13523
SyS1748	3746	GCCCAAATCCTCCCCAGCAGCAGCCAAGCACAG	8335	AQILPSSSQAQ	12924	ILPSSSQ	0.200107	0.034167
GS1020	3747	GCCCAAGTCAGCCAAACCACCAGCAGCGCACAG	8336	AQVSQTTSSAQ	12925	VSQTTSS	0.200008	-0.11818
SyS1750	3748	GCCCAAACGATTCATCTGCATAAGGATGCACAG	8337	AQTIHLHKDAQ	12926	TIHLHKD	0.199958	-0.13314
SyS1754	3749	GCCCAAGTCACCGACAGAGTCGGCAACGCACAG	8338	AQVTDRVGNAQ	12927	VTDRVGN	0.199795	-0.1792
SyP59	3750	GCCCAACTGCCTGCTCGGGCTGCTAATGCACAG	8339	AQLPARAANAQ	12928	LPARAAN	0.199763	-0.04316
SyS1755	3751	GCCCAACACACCCAAAGCATGACCGTCGCACAG	8340	AQHTQSMTVAQ	12929	HTQSMTV	0.199748	0.113433
SyS1756	3752	GCCCAACTCCTCAACAGCAGCCAACTCGGCACAG	8341	AQLLNSSQLAQ	12930	LLNSSQL	0.199713	-0.01322
SyS1757	3753	GCCCAAAGAAACAGCGAACTCAGAGCCGCACAG	8342	AQRNSELRAAQ	12931	RNSELRA	0.199623	-0.1344

도면33dg

SyS1758	3754	GCCCAACAGAAGTCTCCGAATGGTCTGGCACAG	8343	AQQKSPNGLAQ	12932	QKSPNGL	0.199418	-0.01019
SyS1759	3755	GCCCAAAAAAGCGGCGACCACCTCACCGCACAG	8344	AQKSGDHLTAQ	12933	KSGDHLT	0.199256	-0.10889
TS171	3756	GCCCAAGGGAATCGGACTACGAGTAGTGCACAG	8345	AQGNRTTSSAQ	12934	GNRTTSS	0.199229	-0.1942
SyS1760	3757	GCCCAAATGGTCGCCCTCACCGTCGGCGCACAG	8346	AQMVALTVGAQ	12935	MVALTVG	0.19916	-0.17557
SyS1761	3758	GCCCAACTCAGCAGCAACAGCCCCAGAGCACAG	8347	AQLSSNSPRAQ	12936	LSSNSPR	0.199055	0.023543
SyS1762	3759	GCCCAAGCTTCGAATAATCAGACGTATGCACAG	8348	AQASNNQTYAQ	12937	ASNNQTY	0.199003	-0.05924
GS1025	3760	GCCCAAAACAACATCGTCACCACCAGCGCACAG	8349	AQNNIVTTSAQ	12938	NNIVTTS	0.19875	-0.15317
GS1026	3761	GCCCAACACGACACCAAAAAACCCATGGCACAG	8350	AQHDTKKPMAQ	12939	HDTKKPM	0.198636	-0.1338
SyS1765	3762	GCCCAAATTAATACGGCTAGTTATAAGGCACAG	8351	AQINTASYKAQ	12940	INTASYK	0.198495	-0.10647
SyS1766	3763	GCCCAAAGTGGTATGGTTAGTATGTCGGCACAG	8352	AQSGMVSMSAQ	12941	SGMVSMS	0.19837	-0.10161
SyS1768	3764	GCCCAACTCGTCACCGCCAGCGCCAGAGCACAG	8353	AQLVTASARAQ	12942	LVTASAR	0.198271	-0.12079
GS1028	3765	GCCCAAAGCAGAGCCCCCAGCGCCATGGCACAG	8354	AQSRAPSAMAQ	12943	SRAPSAM	0.198243	-0.1747
SyS1769	3766	GCCCAAAACAACAACCAAAAAGTCTACGCACAG	8355	AQNNNQKVYAQ	12944	NNNQKVY	0.197983	-0.11345
SyS1770	3767	GCCCAAACTAGTGTGGTTGCTAATCCTGCACAG	8356	AQTSVVANPAQ	12945	TSVVANP	0.197975	-0.02461
SyS1771	3768	GCCCAAGGCAACGCGGCGCCCCAGCCTCGCACAG	8357	AQGNAGPSLAQ	12946	GNAGPSL	0.197961	-0.17382
SyS1772	3769	GCCCAATACAGCACCAGCCTCGAACTCGCACAG	8358	AQYSTSLELAQ	12947	YSTSLEL	0.197917	-0.23419
SyS1773	3770	GCCCAACCGTCTAATCCGCCTAAGGAGGCACAG	8359	AQPSNPPKEAQ	12948	PSNPPKE	0.197834	-0.10324
SyS1774	3771	GCCCAAACTAATTCTAAGCCTTCGTGGGCACAG	8360	AQTNSKPSWAQ	12949	TNSKPSW	0.197791	-0.2305
SyS1775	3772	GCCCAATCGATTGATCGGCAGCAGCTTGCACAG	8361	AQSIDRQQLAQ	12950	SIDRQQL	0.19771	-0.16273
GS1030	3773	GCCCAAAACAAAGCGGGCCCCGCCAGCGCACAG	8362	AQNKAGPASAQ	12951	NKAGPAS	0.197681	-0.08173
GS1031	3774	GCCCAAAGCATGACCACCAACAGAAGCGCACAG	8363	AQSMTTNRSAQ	12952	SMTTNRS	0.197629	-0.14958
SyS1776	3775	GCCCAAGGCAACAGCGCCGTCCAACTCGCACAG	8364	AQGNSAVQLAQ	12953	GNSAVQL	0.197614	-0.09127
GS1032	3776	GCCCAAAGAAGCAGCGACGTCAACACCGCACAG	8365	AQRSSDVNTAQ	12954	RSSDVNT	0.197531	-0.12807
SyS1777	3777	GCCCAACACAACAGGCGTCCAAAGCGTCGCACAG	8366	AQHNGVQSVAQ	12955	HNGVQSV	0.197468	0.173685
SyS1778	3778	GCCCAAGAAAAAGACCACGGCATGGCCGCACAG	8367	AQEKDHGMAAQ	12956	EKDHGMA	0.197362	-0.12344
SyS1779	3779	GCCCAATACAGACTCCCCGACGGCAGAGCACAG	8368	AQYRLPDGRAQ	12957	YRLPDGR	0.197255	-0.21202
SyS1780	3780	GCCCAAAGCAGCAGAAACTCAGACTCGCACAG	8369	AQSSRELRLAQ	12958	SSRELRL	0.197138	-0.13192
SyS1782	3781	GCCCAAAACCAAGTCGAAAGCAGAGTCGCACAG	8370	AQNQVESRVAQ	12959	NQVESRV	0.196941	-0.11838
SyS1783	3782	GCCCAAGCCCTCCACAGCGTCCCCAAAGCACAG	8371	AQALHSVPKAQ	12960	ALHSVPK	0.196939	-0.11574
SyS1784	3783	GCCCAAACTGGTCCTAGTACGGTGCCGGCACAG	8372	AQTGPSTVPAQ	12961	TGPSTVP	0.196935	-0.09919
SyS1785	3784	GCCCAAGAACCCCTCGGCGTCCACCCCGCACAG	8373	AQEPLGVHPAQ	12962	EPLGVHP	0.196915	-0.19723
GS1036	3785	GCCCAAACCAGAACCGACACCACCAACGCACAG	8374	AQTRTDTTNAQ	12963	TRTDTTN	0.196745	-0.08049

도면33dh

GS1037	3786	GCCCAAAGCCACAACCTCACCGCCGACGCACAG	8375	AQSHNLTADAQ	12964	SHNLTAD	0.196727	-0.15855
SyS1787	3787	GCCCAAAACGTCAGAAGAGACGACACCGCACAG	8376	AQNVRRDDTAQ	12965	NVRRDDT	0.196487	-0.11616
SyS1788	3788	GCCCAATTCGCCGCCAACCTCGTCGCCGCACAG	8377	AQFAANLVAAQ	12966	FAANLVA	0.196427	-0.13677
SyS1790	3789	GCCCAAATCGGCGCCCAAGCCAGAATGGCACAG	8378	AQIGAQARMAQ	12967	IGAQARM	0.19619	-0.15288
SyS1791	3790	GCCCAAAATTCTATGTCTAAGGCTTATGCACAG	8379	AQNSMSKAYAQ	12968	NSMSKAY	0.196153	-0.1986
GS1039	3791	GCCCAAAACGTCAACAAAGACAGAGTCGCACAG	8380	AQNVNKDRVAQ	12969	NVNKDRV	0.196068	-0.1442
GS1040	3792	GCCCAATCTTTTCAGGGTTCGGCTAGGGCACAG	8381	AQSFQGSARAQ	12970	SFQGSAR	0.196025	-0.06362
GS1041	3793	GCCCAAGCCAACAGCGACCACATCCACGCACAG	8382	AQANSDHIHAQ	12971	ANSDHIH	0.196025	-0.13792
GS1042	3794	GCCCAAGTCAGCCTCGCCAGCAAAAGCGCACAG	8383	AQVSLASKSAQ	12972	VSLASKS	0.195985	-0.13164
SyS1793	3795	GCCCAACCCAAAGACAGAGCCACCAGCGCACAG	8384	AQPKDRATSAQ	12973	PKDRATS	0.195973	-0.13314
SyS1794	3796	GCCCAAGTTCGGTCGCAGAGTGATTCGGCACAG	8385	AQVRSQSDSAQ	12974	VRSQSDS	0.195812	-0.12101
SyS1795	3797	GCCCAACTTGGTAATTCGGTGTTTAAGGCACAG	8386	AQLGNSVFKAQ	12975	LGNSVFK	0.195693	-0.10483
SyS1796	3798	GCCCAAAGCACCAAAGAAAGCCCCAAAGCACAG	8387	AQSTKESPKAQ	12976	STKESPK	0.195693	-0.23173
SyS1797	3799	GCCCAACTCCAACCCACCACCTTCAGCGCACAG	8388	AQLQPTTFSAQ	12977	LQPTTFS	0.195693	-0.23173
SyS1798	3800	GCCCAACCCATGCACACCGCCATGGTCGCACAG	8389	AQPMHTAMVAQ	12978	PMHTAMV	0.195687	-0.14162
SyS1799	3801	GCCCAAGTGTTTGCTCATACTGGTCTTGCACAG	8390	AQVFAHTGLAQ	12979	VFAHTGL	0.195535	-0.2277
GS1044	3802	GCCCAACAAAAGCCACCAGCATCCACGCACAG	8391	AQQKATSIHAQ	12980	QKATSIH	0.195419	-0.1338
SyS1800	3803	GCCCAAGGTTCTAAGTCGGATAATCTGGCACAG	8392	AQGSKSDNLAQ	12981	GSKSDNL	0.195377	-0.15011
SyS1801	3804	GCCCAAAGCGGCACCAACGTCGTCAGCGCACAG	8393	AQSGTNVVSAQ	12982	SGTNVVS	0.195376	-0.20955
SyS1802	3805	GCCCAAACCAAACTCACCACCCTCAGCGCACAG	8394	AQTKLTTLSAQ	12983	TKLTTLS	0.195251	-0.19846
SyS1803	3806	GCCCAACCCATCCTCCACAACCAAATCGCACAG	8395	AQPILHNQIAQ	12984	PILHNQI	0.195237	-0.13798
SyS1804	3807	GCCCAAGTCACCAACCCCATCAAACCCGCACAG	8396	AQVTNPIKPAQ	12985	VTNPIKP	0.195213	-0.19477
SyS1805	3808	GCCCAAACCAACGCCCTCCACATGAAAGCACAG	8397	AQTNALHMKAQ	12986	TNALHMK	0.195213	-0.19477
SyS1806	3809	GCCCAAGTCGCCCACGCCTACCCCGCCGCACAG	8398	AQVAHAYPAAQ	12987	VAHAYPA	0.195206	0.067049
SyS1807	3810	GCCCAAGCTGAGCATGGTCTTGGTCCTGCACAG	8399	AQAEHGLGPAQ	12988	AEHGLGP	0.195111	-0.20345
GS1045	3811	GCCCAAATGAACAAATACAGCCCCGCCGCACAG	8400	AQMNKYSPAAQ	12989	MNKYSPA	0.195101	-0.14689
SyS1808	3812	GCCCAAACCATGCAAGACAGACTCACCGCACAG	8401	AQTMQDRLTAQ	12990	TMQDRLT	0.19501	-0.12978
SyS1809	3813	GCCCAAGGCGTCAAAATCCTCAACAGCGCACAG	8402	AQGVKILNSAQ	12991	GVKILNS	0.194998	-0.11374
GS1046	3814	GCCCAAGCGCAGAATAAGATGACGAGTGCACAG	8403	AQAQNKMTSAQ	12992	AQNKMTS	0.194978	-0.14048
SyS1810	3815	GCCCAAACCAGCGCCCTCACCGACATCGCACAG	8404	AQTSALTDIAQ	12993	TSALTDI	0.194946	-0.19133
SyS1811	3816	GCCCAAGACCTCAGACACCGCCGACATCGCACAG	8405	AQDLRHADIAQ	12994	DLRHADI	0.194916	-0.14647
GP158	3817	GCCCAACAGAATAAGGCGTTGACGGTGGCACAG	8406	AQQNKALTVAQ	12995	QNKALTV	0.194813	-0.07426

도면33di

SyS1812	3818	GCCCAAACTCAGGGGATTACGATTGTGGCACAG	8407	AQTQGITIVAQ	12996	TQGITIV	0.194803	-0.1792
GS1047	3819	GCCCAAACGGCGACTATTCTGTCGGGGGCACAG	8408	AQTATILSGAQ	12997	TATILSG	0.194742	-0.11376
GP159	3820	GCCCAATTTGCGGCGAGTAATATTTCTGCACAG	8409	AQFAASNISAQ	12998	FAASNIS	0.194572	-0.07232
SyS1814	3821	GCCCAACGTAATACTATGGAGACTATGGCACAG	8410	AQRNTMETMAQ	12999	RNTMETM	0.194502	-0.19981
GS1049	3822	GCCCAAAGTTCTGGTACTAGTTATAGTGCACAG	8411	AQSSGTSYSAQ	13000	SSGTSYS	0.194467	-0.1765
SyS1815	3823	GCCCAAGCCAACCACGGCCTCAACGCCGCACAG	8412	AQANHGLNAAQ	13001	ANHGLNA	0.194455	0.086643
GS1050	3824	GCCCAAATGCTGTCGAATTCGCGTAGTGCACAG	8413	AQMLSNSRSAQ	13002	MLSNSRS	0.194307	-0.13666
SyS1816	3825	GCCCAAGCTGCGATTCATGCGACGCCTGCACAG	8414	AQAAIHATPAQ	13003	AAIHATP	0.194234	-0.23255
SyS1817	3826	GCCCAATGGCAGTCGTTTGCGTCGGCGGCACAG	8415	AQWQSFASAAQ	13004	WQSFASA	0.194234	-0.23255
SyS1818	3827	GCCCAAATGGGTGGGAATTCGAGTACGGCACAG	8416	AQMGGNSSTAQ	13005	MGGNSST	0.194111	-0.01311
SyS1819	3828	GCCCAAAAGACGGATTTGGCGCAGCATGCACAG	8417	AQKTDLAQHAQ	13006	KTDLAQH	0.194111	-0.15132
TS172	3829	GCCCAAGTCAACACCACCAGATTCAGCGCACAG	8418	AQVNTTRFSAQ	13007	VNTTRFS	0.19409	-0.31218
SyS1821	3830	GCCCAAAATGTGCATGCTCATCAGGCTGCACAG	8419	AQNVHAHQAAQ	13008	NVHAHQA	0.193921	-0.11495
GS1051	3831	GCCCAAGGCGCCATGAGCATCCAAACCGCACAG	8420	AQGAMSIQTAQ	13009	GAMSIQT	0.193889	-0.10282
GS1052	3832	GCCCAAGCTCGGGGTCCGACGATTGTTGCACAG	8421	AQARGPTIVAQ	13010	ARGPTIV	0.193777	-0.18099
GS1055	3833	GCCCAAACGATGCATAGTAAGTCGGATGCACAG	8422	AQTMHSKSDAQ	13011	TMHSKSD	0.193462	-0.16035
GS1056	3834	GCCCAAACGGTTACGCAGACTACTCAGGCACAG	8423	AQTVTQTTQAQ	13012	TVTQTTQ	0.193371	-0.16663
GS1057	3835	GCCCAAGGCAACACCAACAGCCTCACCGCACAG	8424	AQGNTNSLTAQ	13013	GNTNSLT	0.193295	-0.04686
GS1058	3836	GCCCAAAGAGTCATCGCCAGCGTCAACGCACAG	8425	AQRVIASVNAQ	13014	RVIASVN	0.193253	-0.15001
SyS1823	3837	GCCCAACCCAGCAGCGGCAACAGCGAAGCACAG	8426	AQPSSGNSEAQ	13015	PSSGNSE	0.193165	-0.03781
GS1059	3838	GCCCAACAGCCCGCATGGTTTACGGCTGCACAG	8427	AQQPHGFTAAQ	13016	QPHGFTA	0.19311	-0.08893
GS1060	3839	GCCCAAACCACCGGCACCAACATGAGAGCACAG	8428	AQTTGTNMRAQ	13017	TTGTNMR	0.192999	-0.1586
SyS1825	3840	GCCCAATTCACCAGACTCGAAGACAGAGCACAG	8429	AQFTRLEDRAQ	13018	FTRLEDR	0.192838	-0.12829
GS1061	3841	GCCCAAGACAGAAGCCCCGCCCACACCGCACAG	8430	AQDRSPAHTAQ	13019	DRSPAHT	0.192801	-0.06749
SyS1827	3842	GCCCAACACGTCCACAACACCGTCCCCGCACAG	8431	AQHVHNTVPAQ	13020	HVHNTVP	0.192711	-0.04938
SS118	3843	GCCCAAATGAACACCACCGGCACCAAAGCACAG	8432	AQMNTTGTKAQ	13021	MNTTGTK	0.192667	-0.30576
SyS1828	3844	GCCCAATTCGCCACCCAAACCATCGCCGCACAG	8433	AQFATQTIAAQ	13022	FATQTIA	0.192606	0.020831
GS1062	3845	GCCCAAGTCAGCGGCAACATCCCCGTCGCACAG	8434	AQVSGNIPVAQ	13023	VSGNIPV	0.192554	-0.1774
GS1063	3846	GCCCAAGACGGCAGAAACATCGCCCCCGCACAG	8435	AQDGRNIAPAQ	13024	DGRNIAP	0.192531	-0.10292
SyS1829	3847	GCCCAAATGCTCCCCACCGTCAACAGAGCACAG	8436	AQMLPTVNRAQ	13025	MLPTVNR	0.192494	-0.11361
GS1064	3848	GCCCAACCTACTACTAATGTGCTTGGTGCACAG	8437	AQPTTNVLGAQ	13026	PTTNVLG	0.192456	-0.15676
SyS1830	3849	GCCCAACGGGAGATGCATGGTACTCTTGCACAG	8438	AQREMHGTLAQ	13027	REMHGTL	0.192442	-0.13677

도면33dj

GS1066	3850	GCCCAATCTCCGTATTCGACTCGTCCGGCACAG	8439	AQSPYSTRPAQ	13028	SPYSTRP	0.192371	-0.15517
SyS1832	3851	GCCCAATACAACATGAACACCGAAATGGCACAG	8440	AQYNMNTEMAQ	13029	YNMNTEM	0.192365	-0.17314
SyS1833	3852	GCCCAAGGGGCGCGTATGGGTCATTCGGCACAG	8441	AQGARMGHSAQ	13030	GARMGHS	0.192225	-0.07252
SyS1834	3853	GCCCAATTCAGCCCCGGCTACGTCCCCGCACAG	8442	AQFSPGYVPAQ	13031	FSPGYVP	0.192168	-0.09677
SyS1835	3854	GCCCAACAGCAGCATATTCCTCTTCTGCACAG	8443	AQQQHIPPSAQ	13032	QQHIPPS	0.191995	-0.18984
GS1067	3855	GCCCAACTCAGCACCAGCCTCAGCCCCGCACAG	8444	AQLSTSLSPAQ	13033	LSTSLSP	0.191963	-0.10041
SyS1836	3856	GCCCAAGTTAATGGGATTAAGGAGTATGCACAG	8445	AQVNGIKEYAQ	13034	VNGIKEY	0.191891	-0.081
SyP60	3857	GCCCAAGGTGTGCGGACTGAGCCGATGGCACAG	8446	AQGVRTEPMAQ	13035	GVRTEPM	0.191789	-0.0406
SyS1837	3858	GCCCAAAGAAACAACGACAGCCTCACCGCACAG	8447	AQRNNDSLTAQ	13036	RNNDSLT	0.191786	0.1054
SyS1838	3859	GCCCAATTTAATGCGTCTCCTAAGTTGGCACAG	8448	AQFNASPKLAQ	13037	FNASPKL	0.191776	-0.19375
SyS1839	3860	GCCCAAGGCCTCACCACCAGCACCACCGCACAG	8449	AQGLTTSTTAQ	13038	GLTTSTT	0.191776	-0.19375
SyS1840	3861	GCCCAAATGATCAGAGGCACCAGCAGCGCACAG	8450	AQMIRGTSSAQ	13039	MIRGTSS	0.191749	-0.11737
SyS1841	3862	GCCCAAACTAAGCTTGTGGCTACTGTGGCACAG	8451	AQTKLVATVAQ	13040	TKLVATV	0.191661	-0.21941
SyS1842	3863	GCCCAAGTGAGTCGGCAGTTTGAGCCGGCACAG	8452	AQVSRQFEPAQ	13041	VSRQFEP	0.191661	-0.21941
SyS1843	3864	GCCCAAAATGGTGATAGTTTGCGTCCTGCACAG	8453	AQNGDSLRPAQ	13042	NGDSLRP	0.191643	-0.05025
SyS1844	3865	GCCCAAACCCAAAACCTCAGCAGCCACGCACAG	8454	AQTQNLSSHAQ	13043	TQNLSSH	0.191633	0.003465
SyS1845	3866	GCCCAAACCGTCACCGGCAGCCTCGTCGCACAG	8455	AQTVTGSLVAQ	13044	TVTGSLV	0.191556	-0.15374
SyS1846	3867	GCCCAAGGCAGAGGCCCCGAAGCCCAAGCACAG	8456	AQGRGPEAQAQ	13045	GRGPEAQ	0.191398	0.062377
GS1068	3868	GCCCAACCCAGAAACGTCGGCCTCGAAGCACAG	8457	AQPRNVGLEAQ	13046	PRNVGLE	0.191325	-0.0842
SyS1847	3869	GCCCAATTCAACAGCAGCATCCCCACCGCACAG	8458	AQFNSSIPTAQ	13047	FNSSIPT	0.191319	0.002066
SyS1848	3870	GCCCAAGGTAATCAGCAGCATTCTTCTGCACAG	8459	AQGNQQHSSAQ	13048	GNQQHSS	0.191216	0.020615
GS1069	3871	GCCCAACCCATCACCAACGGCAGCTTCGCACAG	8460	AQPITNGSFAQ	13049	PITNGSF	0.191188	-0.13074
GS1070	3872	GCCCAAGTTCAGCGTACTCCGCTTACTGCACAG	8461	AQVQRTPLTAQ	13050	VQRTPLT	0.191121	-0.18054
GS1071	3873	GCCCAAACGCCTTATGCTGGTAGGGCTGCACAG	8462	AQTPYAGRAAQ	13051	TPYAGRA	0.19095	-0.10831
SyS1849	3874	GCCCAACTGGCTCTGTCTAATCGTACGGCACAG	8463	AQLALSNRTAQ	13052	LALSNRT	0.190717	-0.17259
SyS1850	3875	GCCCAAGGTCAGATGGCTACTGGTCTGGCACAG	8464	AQGQMATGLAQ	13053	GQMATGL	0.190704	-0.13866
SyS1852	3876	GCCCAATCTAATCCTGCGACTACTACTGCACAG	8465	AQSNPATTTAQ	13054	SNPATTT	0.190655	-0.11859
GS1074	3877	GCCCAAGGGCGGACTACTAGTGATAGTGCACAG	8466	AQGRTTSDSAQ	13055	GRTTSDS	0.190613	-0.09357
GS1075	3878	GCCCAAAGCAGACTCACCAGCCTCGGCGCACAG	8467	AQSRLTSLGAQ	13056	SRLTSLG	0.19049	-0.12819
SyS1853	3879	GCCCAACATCTTCTACGCCGGATTTGGCACAG	8468	AQHLSTPDLAQ	13057	HLSTPDL	0.190472	-0.18737
SyS1854	3880	GCCCAAATGCCTCATGCTCCGACTTCGGCACAG	8469	AQMPHAPTSAQ	13058	MPHAPTS	0.190411	-0.14283
GS1076	3881	GCCCAAGTTGCGGGTATGTTGACGCATGCACAG	8470	AQVAGMLTHAQ	13059	VAGMLTH	0.190345	-0.17672

도면33dk

GS1077	3882	GCCCAAGTCGCCAGCCAAAAACTCAACGCACAG	8471	AQVASQKLNAQ	13060	VASQKLN	0.190288	-0.13094
SyS1856	3883	GCCCAAACCCAAAGCATGACCAGCAGAGCACAG	8472	AQTQSMTSRAQ	13061	TQSMTSR	0.190241	-0.02852
GS1079	3884	GCCCAACCCATCAGCACCATGAGCCTCGCACAG	8473	AQPISTMSLAQ	13062	PISTMSL	0.19008	-0.1765
SyS1857	3885	GCCCAAGCCCAACTCAACAGCGCCGGCGCACAG	8474	AQAQLNSAGAQ	13063	AQLNSAG	0.190056	-0.1392
SyS1858	3886	GCCCAACACCTCCCCAAATACGAACACGCACAG	8475	AQHLPKYEHAQ	13064	HLPKYEH	0.190056	-0.1392
GS1080	3887	GCCCAAGGGGTGCAGGCTGTTGTGGGTGCACAG	8476	AQGVQAVVGAQ	13065	GVQAVVG	0.189947	-0.15647
SyS1859	3888	GCCCAAGGCGACACCCAATACGCCAGAGCACAG	8477	AQGDTQYARAQ	13066	GDTQYAR	0.189923	-0.1792
SyS1860	3889	GCCCAAGCCAGCCCCCTCGTCATGAGCGCACAG	8478	AQASPLVMSAQ	13067	ASPLVMS	0.189788	-0.033
SyS1861	3890	GCCCAAAGCAACGCCGGCATGAGCAAAGCACAG	8479	AQSNAGMSKAQ	13068	SNAGMSK	0.189781	-0.07895
SyS1862	3891	GCCCAAAGAAGCGTCAGCGCCGTCCCCGCACAG	8480	AQRSVSAVPAQ	13069	RSVSAVP	0.189731	-0.22064
SyS1863	3892	GCCCAACCCAGCTACCACAAAAGCCCCGCACAG	8481	AQPSYHKSPAQ	13070	PSYHKSP	0.189731	-0.15164
GS1081	3893	GCCCAACATCAGTTTACTAGTTCTGCGGCACAG	8482	AQHQFTSSAAQ	13071	HQFTSSA	0.189638	-0.13792
SyS1865	3894	GCCCAAAACCAAAGCCCCATCGGCGCCGCACAG	8483	AQNQSPIGAAQ	13072	NQSPIGA	0.189626	-0.22434
SyS1866	3895	GCCCAAGGTGCCGCTGGGATGTCGCGGCACAG	8484	AQGAAGMSRAQ	13073	GAAGMSR	0.189609	-0.04299
GS1082	3896	GCCCAAACGGTGAAGACGTATAGTGCGGCACAG	8485	AQTVKTYSAAQ	13074	TVKTYSA	0.189603	0.055302
SyS1867	3897	GCCCAACTCAGCATGACCAGCCAAATGGCACAG	8486	AQLSMTSQMAQ	13075	LSMTSQM	0.189571	-0.09374
SyS1868	3898	GCCCAAGGCCTCAGCCCCACCTTCGGCGCACAG	8487	AQGLSPTFGAQ	13076	GLSPTFG	0.189515	-0.16273
GS1083	3899	GCCCAAATGGACACCGTCATGAAAGGCGCACAG	8488	AQMDTVMKGAQ	13077	MDTVMKG	0.189386	-0.16663
GS1085	3900	GCCCAACGTGATAAGATTTCTACGTATGCACAG	8489	AQRDKISTYAQ	13078	RDKISTY	0.189205	-0.18099
SyS1870	3901	GCCCAAGACAGCAACAGCTACGTCAGAGCACAG	8490	AQDSNSVYRAQ	13079	DSNSVYR	0.189097	-0.18121
SyS1872	3902	GCCCAAAGCCTCAAAAGCAGCCCCTTCGCACAG	8491	AQSLKSSPFAQ	13080	SLKSSPF	0.189004	-0.19981
GS1088	3903	GCCCAACTTGATCGTACTGCGAAGCCTGCACAG	8492	AQLDRTAKPAQ	13081	LDRTAKP	0.188806	-0.15676
SyS1873	3904	GCCCAACCGTCGAGGGCTCCGGATCCTGCACAG	8493	AQPSRAPDPAQ	13082	PSRAPDP	0.188784	-0.10614
SyS1874	3905	GCCCAATACCTCAACCAAATCAGAAGCGCACAG	8494	AQYLNQIRSAQ	13083	YLNQIRS	0.188662	-0.10889
GS1090	3906	GCCCAACAAACAGAAGCGTCGTCGAAGCACAG	8495	AQQNRSVVEAQ	13084	QNRSVVE	0.188647	-0.14238
GS1091	3907	GCCCAACAGGAGTCTATGGTTAAGTATGCACAG	8496	AQQESMVKYAQ	13085	QESMVKY	0.188647	-0.17958
GS1092	3908	GCCCAAAAGCTGTCGCAGGAGAGTAATGCACAG	8497	AQKLSQESNAQ	13086	KLSQESN	0.18854	-0.13253
SyS1875	3909	GCCCAACGTGGTACTATGGAGCATGATGCACAG	8498	AQRGTMEHDAQ	13087	RGTMEHD	0.188451	-0.18042
SyS1878	3910	GCCCAACAGTCGGGTCCTGGGATTGTGGCACAG	8499	AQQSGPGIVAQ	13088	QSGPGIV	0.188217	-0.2083
SyS1879	3911	GCCCAACTCAACCAAGGCGACCTCCTCGCACAG	8500	AQLNQGDLLAQ	13089	LNQGDLL	0.188212	-0.21078
SyS1880	3912	GCCCAAGCCAAAACCATCGGCAGCACCGCACAG	8501	AQAKTIGSTAQ	13090	AKTIGST	0.188109	-0.10161
SyS1881	3913	GCCCAAGACAGCGGCAACAGAACCAGCGCACAG	8502	AQDSGNRTSAQ	13091	DSGNRTS	0.187878	-0.11374

도면33d1

SyS1882	3914	GCCCAACTCAGCCACAGCACCAGCTTCGCACAG	8503	AQLSHSTSFAQ	13092	LSHSTSF	0.187878	-0.11374
GS1094	3915	GCCCAAGGTGATTTTTCGTCGAAGCAGGCACAG	8504	AQGDFSSKQAQ	13093	GDFSSKQ	0.187866	-0.03656
GP160	3916	GCCCAAGATCATAGTAATGCGTATCGTGCACAG	8505	AQDHSNAYRAQ	13094	DHSNAYR	0.187845	-0.07058
SyS1883	3917	GCCCAAGTTCCGACTGATCGTCCTCGTGCACAG	8506	AQVPTDRPRAQ	13095	VPTDRPR	0.187817	-0.22042
SyS1884	3918	GCCCAAAGCATGCAACTCATCAACGAAGCACAG	8507	AQSMQLINEAQ	13096	SMQLINE	0.187817	-0.22042
GS1095	3919	GCCCAATACGCCAACAGCGTCGGCCTCGCACAG	8508	AQYANSVGLAQ	13097	YANSVGL	0.187791	-0.11279
SyS1885	3920	GCCCAAGTCTACCTCGCCAGCGGCGGCGGCACAG	8509	AQVYLASGGAQ	13098	VYLASGG	0.187783	-0.22187
SyS1886	3921	GCCCAACTCATCCCCGTCACCAGCGTCGGCACAG	8510	AQLIPVTSVAQ	13099	LIPVTSV	0.187768	-0.20466
SyS1888	3922	GCCCAAGGCAACATGAACAGCAGAACCGCACAG	8511	AQGNMNSRTAQ	13100	GNMNSRT	0.18734	-0.07494
SyS1889	3923	GCCCAAAGCCACAACGACAGAAGCCTCGCACAG	8512	AQSHNDRSLAQ	13101	SHNDRSL	0.18734	-0.13798
SyS1890	3924	GCCCAACATAGGATTCCTACGGCTGGGGCACAG	8513	AQHRIPTAGAQ	13102	HRIPTAG	0.18734	-0.18527
SyS1891	3925	GCCCAAATGGGCAAAGACTACACCCACGCACAG	8514	AQMGKDYTHAQ	13103	MGKDYTH	0.187325	-0.18984
SyS1893	3926	GCCCAATCTCATGCGAGTACTCCTATTGCACAG	8515	AQSHASTPIAQ	13104	SHASTPI	0.18723	-0.16041
GS1098	3927	GCCCAACTCAACAGCCAAACCAGAAGCGCACAG	8516	AQLNSQTRSAQ	13105	LNSQTRS	0.18719	-0.08992
SyS1894	3928	GCCCAACGGACGCTGAGTGATAGTGTGGCACAG	8517	AQRTLSDSVAQ	13106	RTLSDSV	0.187066	-0.11859
SyS1895	3929	GCCCAACTTACGACTGCTAAGACGTTTGCACAG	8518	AQLTTAKTFAQ	13107	LTTAKTF	0.187043	-0.19723
GS1099	3930	GCCCAAAGAATCGTCGGCAGCACCAGCGCACAG	8519	AQRIVGSTSAQ	13108	RIVGSTS	0.187032	-0.05357
SyS1897	3931	GCCCAAACCAAAACCCTCGCCCTCCACGCACAG	8520	AQTKTLALHAQ	13109	TKTLALH	0.187025	-0.15011
SyS1898	3932	GCCCAATGGGAAGTCCCCGCCCAGAAACGCACAG	8521	AQWEVPARNAQ	13110	WEVPARN	0.186968	-0.18163
SyS1899	3933	GCCCAAATTTCTAATCCGGGCGATTGCTGCACAG	8522	AQISNPAIAAQ	13111	ISNPAIA	0.186968	-0.18163
GS1101	3934	GCCCAATTGGGGGCTTCGCAGACTTCTGCACAG	8523	AQLGASQTSAQ	13112	LGASQTS	0.186895	-0.14143
GS1103	3935	GCCCAACTCAGCACCCACAACAGCGTCGCACAG	8524	AQLSTHNSVAQ	13113	LSTHNSV	0.186848	-0.02926
GS1104	3936	GCCCAAAGACACACCGACATCGACACCGCACAG	8525	AQRHTDIDTAQ	13114	RHTDIDT	0.186832	-0.14779
SyP61	3937	GCCCAAGGGAGGCCGGTTATTGCGGCGGCACAG	8526	AQGRPVIAAAQ	13115	GRPVIAA	0.186825	-0.04411
SyS1900	3938	GCCCAAGCCAACCTCAGAGACGGCGTCGCACAG	8527	AQANLRDGVAQ	13116	ANLRDGV	0.186763	-0.13071
GS1105	3939	GCCCAAGTTCAGTCTCCGTCGATTACGGCACAG	8528	AQVQSPSITAQ	13117	VQSPSIT	0.186748	-0.17201
SyS1901	3940	GCCCAATTCACCAGCGGCAGCCACCTCGCACAG	8529	AQFTSGSHLAQ	13118	FTSGSHL	0.18672	-0.14647
GS1106	3941	GCCCAACCTCTTCAGCAGTCGGGTCATGCACAG	8530	AQPLQQSGHAQ	13119	PLQQSGH	0.186526	-0.09792
SyS1902	3942	GCCCAAGCCAGAGTCGCCACCACCCTCGCACAG	8531	AQARVATTLAQ	13120	ARVATTL	0.186427	-0.14283
GS1108	3943	GCCCAACCCGGCAGACAAAACGAGCCGCACAG	8532	AQPGRQNDAAQ	13121	PGRQNDA	0.186248	-0.1214
SyS1905	3944	GCCCAAAAATACAGCAGCACCGCCATCGCACAG	8533	AQKYSSTAIAQ	13122	KYSSTAI	0.186114	-0.03736
SyS1906	3945	GCCCAACACAGCACCCACTACATCGCCGCACAG	8534	AQHSTHYIAAQ	13123	HSTHYIA	0.186051	-0.15496

도면33dm

SyS1907	3946	GCCCAACAACCCCTCAACGCCCTCCCCGCACAG	8535	AQQPLNALPAQ	13124	QPLNALP	0.185989	0.064654
GS1109	3947	GCCCAAAAAACCCAAGAAACCGGCAACGCACAG	8536	AQKTQETGNAQ	13125	KTQETGN	0.185973	-0.16035
SyS1908	3948	GCCCAAAGTGAGTTGTCTCGGCATGCGGCACAG	8537	AQSELSRHAAQ	13126	SELSRHA	0.18587	0.08751
GS1110	3949	GCCCAAGGCCCCAAAACCATCAGCACCGCACAG	8538	AQGPKTISTAQ	13127	GPKTIST	0.18578	-0.09587
GS1111	3950	GCCCAAAGTCATAGTATTGTGAATCCGGCACAG	8539	AQSHSIVNPAQ	13128	SHSIVNP	0.18578	-0.1765
SyS1909	3951	GCCCAACATTCGAATACTGTGAGTTCGGCACAG	8540	AQHSNTVSSAQ	13129	HSNTVSS	0.18577	0.232173
SyS1910	3952	GCCCAAGTCGCCGGCCTCACCGTCCAAGCACAG	8541	AQVAGLTVQAQ	13130	VAGLTVQ	0.185758	0.055989
GS1112	3953	GCCCAAGCCAACCCCGGCCTCGCCAACGCACAG	8542	AQANPGLANAQ	13131	ANPGLAN	0.185473	-0.16663
SyS1912	3954	GCCCAAGCCAGCGTCCAAATGACCCTCGCACAG	8543	AQASVQMTLAQ	13132	ASVQMTL	0.185379	-0.2305
SyS1913	3955	GCCCAACTCGTCACCGCCCAAGGCCCCGCACAG	8544	AQLVTAQGPAQ	13133	LVTAQGP	0.185303	-0.10115
GP161	3956	GCCCAAACTACGCGTTATACTTCGCCGGCACAG	8545	AQTTRYTSPAQ	13134	TTRYTSP	0.185249	-0.07433
SyS1914	3957	GCCCAAATGGACACCGACAAACCCAGAGCACAG	8546	AQMDTDKPRAQ	13135	MDTDKPR	0.185204	-0.14405
SS121	3958	GCCCAAGGCACCAGCGTCCAAGACAGAGCACAG	8547	AQGTSVQDRAQ	13136	GTSVQDR	0.185176	-0.37486
GS1113	3959	GCCCAAAGAGCCAGCCCCCAACAATACGCACAG	8548	AQRASPQQYAQ	13137	RASPQQY	0.185058	-0.15478
SyS1915	3960	GCCCAAGTCAGCGAGCGAACACAGAATCGCACAG	8549	AQVSSEHRIAQ	13138	VSSEHRI	0.184992	0.003859
GS1114	3961	GCCCAAAGCAACATGAAAATCCAACCCGCACAG	8550	AQSNMKIQPAQ	13139	SNMKIQP	0.184985	-0.09183
SyS1916	3962	GCCCAAAACCTCAGAATCGAACCCATGGCACAG	8551	AQNLRIEPMAQ	13140	NLRIEPM	0.18494	-0.08585
SyS1917	3963	GCCCAACCCACCGAAAGCCTCAGAGTCGCACAG	8552	AQPTESLRVAQ	13141	PTESLRV	0.184782	-0.20955
GP162	3964	GCCCAAACTAATAGGGGTCTTGCTCTTGCACAG	8553	AQTNRGLALAQ	13142	TNRGLAL	0.184678	-0.05599
SyS1920	3965	GCCCAACATGAGAAGACGGCGTATATTGCACAG	8554	AQHEKTAYIAQ	13143	HEKTAYI	0.184498	-0.15657
SyS1921	3966	GCCCAAAATGTTATTTCTAAGAATTTGGCACAG	8555	AQNVISKNLAQ	13144	NVISKNL	0.184372	-0.22649
SyP62	3967	GCCCAAGGGACGGCGGGGTTTTCGTCGGCACAG	8556	AQGTAGFSSAQ	13145	GTAGFSS	0.184333	-0.04152
SyS1922	3968	GCCCAAATTGCGCAGATGGGGGTTAAGGCACAG	8557	AQIAQMGVKAQ	13146	IAQMGVK	0.184332	-0.18861
SyS1923	3969	GCCCAAACTTCTAAGGATGTGAAGGATGCACAG	8558	AQTSKDVKDAQ	13147	TSKDVKD	0.184281	-0.18769
SyS1924	3970	GCCCAAATCATCGGCGCCAGAGACATCGCACAG	8559	AQIIGARDIAQ	13148	IIGARDI	0.18425	-0.16829
SyS1925	3971	GCCCAACTTAGGGATACGGGTCTTGGGGCACAG	8560	AQLRDTGLGAQ	13149	LRDTGLG	0.184224	-0.1489
SyS1926	3972	GCCCAACTCAGCAACAGCCTCGGCCAAGCACAG	8561	AQLSNSLGQAQ	13150	LSNSLGQ	0.184171	0.126572
GS1116	3973	GCCCAAAACGTCCTCAACAGCAGAGGCGCACAG	8562	AQNVLNSRGAQ	13151	NVLNSRG	0.18417	-0.17958
GS1117	3974	GCCCAATTTAGGGGTAGTGGTAGTCCGGCACAG	8563	AQFRGSGSPAQ	13152	FRGSGSP	0.18417	-0.17958
GS1118	3975	GCCCAAAATCCGGAGTTGCCGCGTCAGGCACAG	8564	AQNPELPRQAQ	13153	NPELPRQ	0.184111	-0.16932
GS1119	3976	GCCCAAACGTCTAGTTCGTTTAAGGAGGCACAG	8565	AQTSSSFKEAQ	13154	TSSSFKE	0.184043	-0.14524
SyS1928	3977	GCCCAAAACAGAGAATACATGACCCACGCACAG	8566	AQNREYMTHAQ	13155	NREYMTH	0.183973	-0.18405

도면33dn

SyP63	3978	GCCCAAACGCCTGGTGTTGCGCATCCTGCACAG	8567	AQTPGVAHPAQ	13156	TPGVAHP	0.183725	-0.04392
SyS1931	3979	GCCCAAACGCAGTCTTCGGAGGGGGCCTGCACAG	8568	AQTQSSEGPAQ	13157	TQSSEGP	0.183702	-0.19969
GS1120	3980	GCCCAAAGGGGTGAGCCGATTGTGTCGGCACAG	8569	AQRGEPIVSAQ	13158	RGEPIVS	0.183678	-0.17577
GS1121	3981	GCCCAATCGCTTACGTCTCTGAATTCTGCACAG	8570	AQSLTSLNSAQ	13159	SLTSLNS	0.183678	-0.14143
SyS1933	3982	GCCCAAACGGTGTTGCATACGAGGCAGGCACAG	8571	AQTVLHTRQAQ	13160	TVLHTRQ	0.183603	-0.06701
SyS1934	3983	GCCCAATTGTCGAAGTCGGGTGCGGATGCACAG	8572	AQLSKSGADAQ	13161	LSKSGAD	0.183472	-0.12577
SyS1935	3984	GCCCAAGCCAACGGCAACCAAAGCCTCGCACAG	8573	AQANGNQSLAQ	13162	ANGNQSL	0.183416	0.105951
SyS1936	3985	GCCCAATTCGTCACCAGCAGCAGCGGCGCACAG	8574	AQFVTSSSGAQ	13163	FVTSSSG	0.183382	0.086298
SyP64	3986	GCCCAAGGTGCGAATAATCATACGCGTGCACAG	8575	AQGANNHTRAQ	13164	GANNHTR	0.183354	-0.04236
SyS1937	3987	GCCCAACACGCCAGCGACGTCAACAACGCACAG	8576	AQHASDVNNAQ	13165	HASDVNN	0.183281	-0.23173
GS1123	3988	GCCCAAGGCCACCACACCAGCGACCCCGCACAG	8577	AQGHHTSDPAQ	13166	GHHTSDP	0.183067	-0.17381
SyS1939	3989	GCCCAAGACAAAACCCCGGCGTCCACGCACAG	8578	AQDKNPGVHAQ	13167	DKNPGVH	0.182966	-0.15011
SyS1940	3990	GCCCAATCGAGGAATTCGCATATTGAGGCACAG	8579	AQSRNSHIEAQ	13168	SRNSHIE	0.182829	-0.00548
SyS1941	3991	GCCCAACAGGCGAGTTCTGATCATGTTGCACAG	8580	AQQASSDHVAQ	13169	QASSDHV	0.182736	-0.1889
GS1125	3992	GCCCAACTCAGAGACACCCCCTACAACGCACAG	8581	AQLRDTPYNAQ	13170	LRDTPYN	0.182726	-0.18188
GS1126	3993	GCCCAAAGTTTGGCTGCGACGAGGGATGCACAG	8582	AQSLAATRDAQ	13171	SLAATRD	0.182549	-0.12807
SyS1942	3994	GCCCAAGGCCACGTCAACAACGCCGTCGCACAG	8583	AQGHVNNAVAQ	13172	GHVNNAV	0.182493	-0.12331
SyS1943	3995	GCCCAAATTGGTGGGCTTACGACGCGGGCACAG	8584	AQIGGLTTRAQ	13173	IGGLTTR	0.18241	-0.12143
GS1127	3996	GCCCAAAGCAAAGAAAGAAACGGCCAAGCACAG	8585	AQSKERNGQAQ	13174	SKERNGQ	0.182404	-0.12617
GS1128	3997	GCCCAATTGAATAGTGGTTCTTCTGCTGCACAG	8586	AQLNSGSSAAQ	13175	LNSGSSA	0.182404	-0.16432
SyS1944	3998	GCCCAAACCATGAGCACCACCTACGAAGCACAG	8587	AQTMSTTYEAQ	13176	TMSTTYE	0.182396	-0.10816
GS1129	3999	GCCCAAGGCGCCGACAACAGAATCAGCGCACAG	8588	AQGADNRISAQ	13177	GADNRIS	0.182324	-0.17022
SyS1945	4000	GCCCAAACCCAAAACAACGGCGACGTCGCACAG	8589	AQTQNNGDVAQ	13178	TQNNGDV	0.18227	-0.20466
GP163	4001	GCCCAAAATGGTCCGTCTGTGCTGAGTGCACAG	8590	AQNGPSVLSAQ	13179	NGPSVLS	0.182231	0.090896
SyS1946	4002	GCCCAAACGGCTCTTCGGGATGTGGGTGCACAG	8591	AQTALRDVGAQ	13180	TALRDVG	0.182226	0.09096
SyS1947	4003	GCCCAAAGGACTATGGGGACGACTATGGCACAG	8592	AQRTMGTTMAQ	13181	RTMGTTM	0.182133	0.002686
GS1131	4004	GCCCAAACGAGGGGTACGACTGTGGAGGCACAG	8593	AQTRGTTVEAQ	13182	TRGTTVE	0.182067	0.079797
GS1132	4005	GCCCAAACCGTCAGCAGAGTCCAAGTCGCACAG	8594	AQTVSRVQVAQ	13183	TVSRVQV	0.181971	-0.16842
SyS1948	4006	GCCCAAAGGCTGGATACTAGTGCGGATGCACAG	8595	AQRLDTSADAQ	13184	RLDTSAD	0.181959	-0.1344
GS1133	4007	GCCCAACTCATGACCAAAGGCCTCGTCGCACAG	8596	AQLMTKGLVAQ	13185	LMTKGLV	0.181936	-0.17829
SyS1949	4008	GCCCAACCCATGAGAATGCAAACCGCCGCACAG	8597	AQPMRMQTAAQ	13186	PMRMQTA	0.181912	-0.17998
SyS1950	4009	GCCCAAGTGGTGCTGGGGAGTACTTCTGCACAG	8598	AQVVLGSTSAQ	13187	VVLGSTS	0.181893	-0.13192

도면33do

GS1135	4010	GCCCAATCTAATAATGGGAATGGTCATGCACAG	8599	AQSNNGNGHAQ	13188	SNNGNGH	0.181861	-0.17863
SyS1951	4011	GCCCAAAGAGGCCCCGACCTCCTCAACGCACAG	8600	AQRGPDLLNAQ	13189	RGPDLLN	0.181699	-0.12829
SyS1952	4012	GCCCAAGGTTTTAATAGTATGAAGCCTGCACAG	8601	AQGFNSMKPAQ	13190	GFNSMKP	0.181699	-0.17435
SyS1953	4013	GCCCAACTCAACAGCAACCCCATGAACGCACAG	8602	AQLNSNPMNAQ	13191	LNSNPMN	0.181699	-0.17435
GS1136	4014	GCCCAACTCAGCAACAGAGTCCAAAGCGCACAG	8603	AQLSNRVQSAQ	13192	LSNRVQS	0.181602	-0.07962
GS1137	4015	GCCCAAAGCAGAATGGAAGGCACCGTCGCACAG	8604	AQSRMEGTVAQ	13193	SRMEGTV	0.181451	-0.1451
SyS1955	4016	GCCCAAAGCGAACAATACGTCAGAGTCGGCACAG	8605	AQSEQYVRVAQ	13194	SEQYVRV	0.181394	-0.16643
GS1138	4017	GCCCAAAGTAATCTTGCGAATCAGCCTGCACAG	8606	AQSNLANQPAQ	13195	SNLANQP	0.1813	-0.16484
GP164	4018	GCCCAAGTGAGTATGCAGAGGCCGACGGCACAG	8607	AQVSMQRPTAQ	13196	VSMQRPT	0.181294	-0.06864
SyS1956	4019	GCCCAATTTCATGGTCAGGGTATGTCTGCACAG	8608	AQFHGQGMSAQ	13197	FHGQGMS	0.181291	-0.14405
SyS1959	4020	GCCCAAACCGGCGCCATCAACGCCCCCGCACAG	8609	AQTGAINAPAQ	13198	TGAINAP	0.181162	-0.21202
SyS1960	4021	GCCCAAACGCTGTTTAAGAATGGTCCTGCACAG	8610	AQTLFKNGPAQ	13199	TLFKNGP	0.181097	-0.21315
SyS1961	4022	GCCCAAGTGGTGCCTATTTCGACGAATGCACAG	8611	AQVVPISTNAQ	13200	VVPISTN	0.181026	-0.16344
GS1140	4023	GCCCAAGCCAAAGGCACCGCCCTCGTCGCACAG	8612	AQAKGTALVAQ	13201	AKGTALV	0.180981	-0.16304
SyS1962	4024	GCCCAAAGGGATACTGTGCAGGTGTATGCACAG	8613	AQRDTVQVYAQ	13202	RDTVQVY	0.180851	-0.21571
GS1141	4025	GCCCAACTCGGCACCAAAGCCACCCACGCACAG	8614	AQLGTKATHAQ	13203	LGTKATH	0.180672	-0.16125
SyS1964	4026	GCCCAAGACAACGTCAGAGTCACCGCCGCACAG	8615	AQDNVRVTAAQ	13204	DNVRVTA	0.180658	0.019619
SP40	4027	GCCCAAACGAGAGCCTGGGTCGCATACTGCACAG	8616	AQTRPGSHTAQ	13205	TRPGSHT	0.180609	-0.05314
SyS1965	4028	GCCCAAGCTCAGTTGGCTCCTCGTGCGGCACAG	8617	AQAQLAPRAAQ	13206	AQLAPRA	0.180606	-0.19846
GP165	4029	GCCCAATCTACTATGCGGACGTCGCTGGCACAG	8618	AQSTMRTSLAQ	13207	STMRTSL	0.1806	0.12275
SP41	4030	GCCCAAATGAATCAGACTTCTGCTAAGGCACAG	8619	AQMNQTSAKAQ	13208	MNQTSAK	0.180557	-0.05178
SyS1966	4031	GCCCAAAGCAGAAGCAGCCCCACCATCGCACAG	8620	AQSRSSPTIAQ	13209	SRSSPTI	0.180499	-0.01734
GS1142	4032	GCCCAAAGCGCCCTCAACCAATACCCCGCACAG	8621	AQSALNQYPAQ	13210	SALNQYP	0.180451	-0.08545
GS1143	4033	GCCCAAATCAGCACCACCACCAGAAACGCACAG	8622	AQISTTTRNAQ	13211	ISTTTRN	0.180379	-0.13952
GS1144	4034	GCCCAATCTCGTGATACGCCGAGTGGTGCACAG	8623	AQSRDTPSGAQ	13212	SRDTPSG	0.18029	-0.0879
SyS1967	4035	GCCCAAAACTTCAACAAACAAGGCCTCGCACAG	8624	AQNFNKQGLAQ	13213	NFNKQGL	0.180248	-0.06663
SyS1968	4036	GCCCAACCTAGTAATACGTCTTCGGTTGCACAG	8625	AQPSNTSSVAQ	13214	PSNTSSV	0.180178	-0.2231
SS127	4037	GCCCAAACTGTTAGTACGAATGCGAGGGCACAG	8626	AQTVSTNARAQ	13215	TVSTNAR	0.180153	-0.35824
GS1145	4038	GCCCAAAACATGAGCCAAACCGTCGCCGCACAG	8627	AQNMSQTVAAQ	13216	NMSQTVA	0.180083	-0.15766
GS1146	4039	GCCCAAATTGGGAAGAGTTCTACTCCTGCACAG	8628	AQIGKSSTPAQ	13217	IGKSSTP	0.179902	-0.11877
GS1147	4040	GCCCAAAGAGAAACCGAAACCGGCAGAGCACAG	8629	AQRETETGRAQ	13218	RETETGR	0.179896	-0.13189
SyS1969	4041	GCCCAACCTTATACTCCGCTGACTGGTGCACAG	8630	AQPYTPLTGAQ	13219	PYTPLTG	0.179831	-0.19496

도면33dp

SyS1970	4042	GCCCAAGCCGAATACAACACCGGCGTCGCACAG	8631	AQAEYNTGVAQ	13220	AEYNTGV	0.179673	-0.16466
SyS1971	4043	GCCCAAGGCAGAAACGCCGAAACCAGAGCACAG	8632	AQGRNAETRAQ	13221	GRNAETR	0.17963	-0.04562
GS1149	4044	GCCCAAACGTTTAATCATACTACTGATGCACAG	8633	AQTFNHTTDAQ	13222	TFNHTTD	0.179619	-0.17768
GS1150	4045	GCCCAAACCCACCTCAGCACCCTCGGCGCACAG	8634	AQTHLSTLGAQ	13223	THLSTLG	0.179495	-0.06913
GS1151	4046	GCCCAACTTAAGGGTATTAGTCAGCATGCACAG	8635	AQLKGISQHAQ	13224	LKGISQH	0.17936	-0.12235
SyS1974	4047	GCCCAATATTCTAGTGGTATGACTACGGCACAG	8636	AQYSSGMTTAQ	13225	YSSGMTT	0.17933	-0.09037
SyS1975	4048	GCCCAAACGGCTATTACGATGACTAGTGCACAG	8637	AQTAITMTSAQ	13226	TAITMTS	0.179201	-0.00948
SyS1976	4049	GCCCAAAGAGGCAACGAACTCAACACCGCACAG	8638	AQRGNELNTAQ	13227	RGNELNT	0.179161	-0.06646
SyS1977	4050	GCCCAAGTCGTCAGCAGCCAAATGGCCGCACAG	8639	AQVVSSQMAAQ	13228	VVSSQMA	0.179109	-0.03159
SyS1978	4051	GCCCAACACCAACACGAAAACATGGTCGCACAG	8640	AQHQHENMVAQ	13229	HQHENMV	0.179092	-0.15927
SyS1980	4052	GCCCAAAGCTTCGGCGGCGTCCCCAAAGCACAG	8641	AQSFGGVPKAQ	13230	SFGGVPK	0.179027	-0.08158
GS1153	4053	GCCCAATTGATGCGTGATAGTAAGTCTGCACAG	8642	AQLMRDSKSAQ	13231	LMRDSKS	0.17901	-0.11654
GS1154	4054	GCCCAAATGAGAACCAACCTCAGCATGGCACAG	8643	AQMRTNLSMAQ	13232	MRTNLSM	0.179008	-0.17381
SyS1981	4055	GCCCAACCGAATAATCCTGTGGTGCCTGCACAG	8644	AQPNNPVVPAQ	13233	PNNPVVP	0.179008	-0.18042
GP167	4056	GCCCAAAGGGTTAGTCAGTCTATGGGTGCACAG	8645	AQRVSQSMGAQ	13234	RVSQSMG	0.17897	-0.07391
SyS1982	4057	GCCCAAGCTGAGGGTCCTCAGAAGACGGCACAG	8646	AQAEGPQKTAQ	13235	AEGPQKT	0.178923	-0.05601
SyS1983	4058	GCCCAACTTAATTCTGTGGTTCATACGGCACAG	8647	AQLNSVVHTAQ	13236	LNSVVHT	0.17892	-0.01781
GS1155	4059	GCCCAACTGTTGACGTTGAATTCGGCTGCACAG	8648	AQLLTLNSAAQ	13237	LLTLNSA	0.178886	-0.16814
SyS1985	4060	GCCCAAACGCTTGCTCCTCGGAGGGATGCACAG	8649	AQTLAPRRDAQ	13238	TLAPRRD	0.178476	-0.16951
GS1159	4061	GCCCAAAGAGTCGCCAACCCCGCCACCGCACAG	8650	AQRVANPATAQ	13239	RVANPAT	0.178389	-0.12177
SyS1986	4062	GCCCAATTGCCGGATCCTAGGTTGCAGGCACAG	8651	AQLPDPRLQAQ	13240	LPDPRLQ	0.178351	-0.1063
SyS1987	4063	GCCCAAAAAATGGAGACGTCGGCGAAGCCGCACAG	8652	AQKMDVGEAAQ	13241	KMDVGEA	0.178194	-0.22434
SyS1988	4064	GCCCAAGGTCCGTCTCCTATGGTTATGGCACAG	8653	AQGPSPMVMAQ	13242	GPSPMVM	0.178194	-0.22434
GS1160	4065	GCCCAAGGCACCAACAAAGCCACCGCCGCACAG	8654	AQGTNKATAAQ	13243	GTNKATA	0.178061	-0.05206
GS1161	4066	GCCCAACTCAGCGCCCACGGCACCACCGCACAG	8655	AQLSAHGTTAQ	13244	LSAHGTT	0.178024	-0.18009
GS1162	4067	GCCCAAACCAGCAGATACAACAGCGCCGCACAG	8656	AQTSRYNSAAQ	13245	TSRYNSA	0.177853	-0.16663
SyS1989	4068	GCCCAAGGCCCCAACAGCAGCTTCAAAGCACAG	8657	AQGPNSSFKAQ	13246	GPNSSFK	0.177775	-0.16273
GS1163	4069	GCCCAAAGTGTTGGGAGGGCTCCGATTGCACAG	8658	AQSVGRAPIAQ	13247	SVGRAPI	0.177653	-0.14715
SyS1990	4070	GCCCAATTTCAGGGTGAGAAGACGTGGGCACAG	8659	AQFQGEKTWAQ	13248	FQGEKTW	0.177633	-0.06462
SyS1991	4071	GCCCAAACCAGCAGCGCCAGAACCATCGCACAG	8660	AQTSSARTIAQ	13249	TSSARTI	0.177546	-0.07616
SyS1992	4072	GCCCAAGCTGAGCGTACTGGGACTGCGGCACAG	8661	AQAERTGTAAQ	13250	AERTGTA	0.177482	-0.16643
GS1164	4073	GCCCAACTCAACCTCGGCACCCCCAAAGCACAG	8662	AQLNLGTPKAQ	13251	LNLGTPK	0.177441	-0.17672

도면33dq

GP168	4074	GCCCAAGCTGCGCCGGTTGGGTCTAGGGCACAG	8663	AQAAPVGSRAQ	13252	AAPVGSR	0.177438	0.019689
GS1165	4075	GCCCAAATGAGACAAGCCAACCACCCCGCACAG	8664	AQMRQANHPAQ	13253	MRQANHP	0.177418	-0.10804
SyS1993	4076	GCCCAAGAGCAGCAGCGTGATGTGCTGGCACAG	8665	AQEQQRDVLAQ	13254	EQQRDVL	0.177373	-0.18368
SyS1994	4077	GCCCAACCCAAAAGCGACGAACTCACCGCACAG	8666	AQPKSDELTAQ	13255	PKSDELT	0.177331	-0.23173
SyS1995	4078	GCCCAAAATGCTCGTGTTCAGGAGACTGCACAG	8667	AQNARVQETAQ	13256	NARVQET	0.177294	0.036888
SyS1996	4079	GCCCAAACTACGGTTGCTACTCAGTCGGCACAG	8668	AQTTVATQSAQ	13257	TTVATQS	0.177266	-0.08132
SyS1997	4080	GCCCAAACCGAAGTCAGCCACACAGACCCGCACAG	8669	AQTEVSHRPAQ	13258	TEVSHRP	0.177079	-0.13314
SyS1998	4081	GCCCAAAGCAGCACCGTCAAAAACGTCGCACAG	8670	AQSSTVKNVAQ	13259	SSTVKNV	0.177072	0.041757
SyS1999	4082	GCCCAAATCGACAGCCACCTCAACAGAGCACAG	8671	AQIDSHLNRAQ	13260	IDSHLNR	0.176954	-0.05133
SyS2000	4083	GCCCAAGGTTCGACTCAGCTGAGTCTGGCACAG	8672	AQGSTQLSLAQ	13261	GSTQLSL	0.17695	-0.03737
GS1170	4084	GCCCAAGACGGCAGCCCCGCCACCAAAGCACAG	8673	AQDGSPATKAQ	13262	DGSPATK	0.17691	-0.18637
SyS2001	4085	GCCCAACAAACCGGCAACAGCCAAGCCGCACAG	8674	AQQTGNSQAAQ	13263	QTGNSQA	0.176685	-0.02351
SyS2002	4086	GCCCAAAGACAAGACGTCAACGTCAGCGCACAG	8675	AQRQDVNVSAQ	13264	RQDVNVS	0.176645	-0.22187
GS1172	4087	GCCCAACTCGACTACGGCGTCAAAAGCGCACAG	8676	AQLDYGVKSAQ	13265	LDYGVKS	0.176625	-0.01607
SyS2003	4088	GCCCAAGGTTCTCGTCCTGAGGCGCCGGCACAG	8677	AQGSRPEAPAQ	13266	GSRPEAP	0.176327	-0.1489
SyS2004	4089	GCCCAATGGAGCAACATGACCGCCGCCGCACAG	8678	AQWSNMTAAAQ	13267	WSNMTAA	0.176285	0.188706
GP171	4090	GCCCAAACTAATACTACTCGGATTTCTGCACAG	8679	AQTNTTRISAQ	13268	TNTTRIS	0.176104	0.234131
SyS2007	4091	GCCCAACCTTATGCGGAGAGGCAGGCTGCACAG	8680	AQPYAERQAAQ	13269	PYAERQA	0.175875	-0.12869
SyS2008	4092	GCCCAAACCAGCAGCGCCACCGTCCTCGCACAG	8681	AQTSSATVLAQ	13270	TSSATVL	0.175872	-0.08332
SyS2009	4093	GCCCAAGCGCAGACTGATTTTAGGCAGGCACAG	8682	AQAQTDFRQAQ	13271	AQTDFRQ	0.175789	-0.17557
GS1173	4094	GCCCAAAACAGCGGCAACGAACACAGCGCACAG	8683	AQNSGNEHSAQ	13272	NSGNEHS	0.175772	-0.17919
SyS2010	4095	GCCCAAAAGCCCGCTGATTAATGCTACTGCACAG	8684	AQKPLINATAQ	13273	KPLINAT	0.175674	-0.17193
SyS2011	4096	GCCCAAATGGGGAGTTCGTCGGCGTTTGCACAG	8685	AQMGSSSAFAQ	13274	MGSSSAF	0.175674	-0.17193
GS1174	4097	GCCCAAATTGGTAATAAGACGAGTCTGGCACAG	8686	AQIGNKTSLAQ	13275	IGNKTSL	0.175642	-0.13523
SyS2012	4098	GCCCAAGCCGCCAACACCGCCCCCAAAGCACAG	8687	AQAANTAPKAQ	13276	AANTAPK	0.17558	-0.10142
GS1175	4099	GCCCAACTCGTCGACCAAAGAGCCACCGCACAG	8688	AQLVDQRATAQ	13277	LVDQRAT	0.175514	-0.1774
SyS2015	4100	GCCCAACAAGTCAAACTCGGCAGCACCGCACAG	8689	AQQVKLGSTAQ	13278	QVKLGST	0.175457	-0.21315
GS1176	4101	GCCCAACTCACCAGCAACACCCACGTCGCACAG	8690	AQLTSNTHVAQ	13279	LTSNTHV	0.175385	-0.05777
GS1177	4102	GCCCAAGTCTACAGCGCCATCAACAAAGCACAG	8691	AQVYSAINKAQ	13280	VYSAINK	0.175251	-0.17386
SyS2017	4103	GCCCAAAGAGCCAACGGCAGCGACCTCGCACAG	8692	AQRANGSDLAQ	13281	RANGSDL	0.17502	0.012701
SyS2018	4104	GCCCAAAACCTCAAAAGCCAAACCGAAGCACAG	8693	AQNLKSQTEAQ	13282	NLKSQTE	0.174966	-0.12454
SyS2019	4105	GCCCAAAGCTACGGCAACGAAATCAGAGCACAG	8694	AQSYGNEIRAQ	13283	SYGNEIR	0.174809	0.068074

도면33dr

SyS2020	4106	GCCCAACTCACCAGAGGCGCCATCGGCGCACAG	8695	AQLTRGAIGAQ	13284	LTRGAIG	0.174654	-0.13192
GS1178	4107	GCCCAACCCATCAGAACCGTCGACACCGCACAG	8696	AQPIRTVDTAQ	13285	PIRTVDT	0.174634	-0.12446
SyS2021	4108	GCCCAACGGAGTATGCCTGATGGTTCGGCACAG	8697	AQRSMPDGSAQ	13286	RSMPDGS	0.174629	-0.18769
GS1179	4109	GCCCAAACCGCCCACACCGGCCCCCTCGCACAG	8698	AQTAHTGPLAQ	13287	TAHTGPL	0.174581	-0.15288
SP42	4110	GCCCAATCGCAGGGGAGTCCGCTTTCGGCACAG	8699	AQSQGSPISAQ	13288	SQGSPLS	0.174469	-0.0526
SyS2022	4111	GCCCAACTCCAAGCCATCGCCCACAGCGCACAG	8700	AQLQAIAHSAQ	13289	LQAIAHS	0.174346	-0.17678
SyS2024	4112	GCCCAAGGCAACAGCCTCAGCACCAGCGCACAG	8701	AQGNSLSTSAQ	13290	GNSLSTS	0.174173	-0.2268
GS1180	4113	GCCCAACTCACCCACAGAAGCCGAAGCACAG	8702	AQLTHREAEAQ	13291	LTHREAE	0.174167	-0.06761
GS1181	4114	GCCCAAACGTTGCATCTGGCGAAGGAGGCACAG	8703	AQTLHLAKEAQ	13292	TLHLAKE	0.174141	-0.16663
GS1182	4115	GCCCAAAACATCAGCAGCAGCGGCAAAGCACAG	8704	AQNISSSGKAQ	13293	NISSSGK	0.174056	-0.08647
SyS2026	4116	GCCCAAGGCAGACACATGGTCATGGAAGCACAG	8705	AQGRHMVMEAQ	13294	GRHMVME	0.173999	-0.09555
GS1183	4117	GCCCAAGGTGAGAGGTTTGGGGGGCCTGCACAG	8706	AQGERFGGPAQ	13295	GERFGGP	0.173807	-0.18009
SyS2027	4118	GCCCAATATAGTGGGTCTTCTACTAAGGCACAG	8707	AQYSGSSTKAQ	13296	YSGSSTK	0.173744	-0.09789
SyS2028	4119	GCCCAAAAGGAGTCTGTTAGTGCGAATGCACAG	8708	AQKESVSANAQ	13297	KESVSAN	0.173712	-0.006
SyS2030	4120	GCCCAAATTACGAGTGATGGGAAGCCGGCACAG	8709	AQITSDGKPAQ	13298	ITSDGKP	0.173449	0.031329
SyS2031	4121	GCCCAAGGTCATGATGCGCGTGTGGTTGCACAG	8710	AQGHDARVVAQ	13299	GHDARVV	0.173427	0.011182
SyS2032	4122	GCCCAAACCAGCAGCAACGGCGTCAGAGCACAG	8711	AQTSSNGVRAQ	13300	TSSNGVR	0.173427	0.042989
GS1184	4123	GCCCAAAATCATCAGAATCGGTCTTTGGCACAG	8712	AQNHQNRSLAQ	13301	NHQNRSL	0.173427	-0.18245
GS1185	4124	GCCCAACGGGTTCCGGAGCAGAATGTGGCACAG	8713	AQRVPEQNVAQ	13302	RVPEQNV	0.173385	-0.18054
GS1186	4125	GCCCAAAGCGCCCAACTCAGAAGCAGCGCACAG	8714	AQSAQLRSSAQ	13303	SAQLRSS	0.173344	-0.17863
GS1187	4126	GCCCAACACGCCCAAAAGCGAAACCTACGCACAG	8715	AQHAKSETYAQ	13304	HAKSETY	0.173305	-0.17672
SyS2033	4127	GCCCAACTCCTCACCCAAGTCGAAACCGCACAG	8716	AQLLTQVETAQ	13305	LLTQVET	0.173298	-0.12503
SyS2034	4128	GCCCAAACCAAAACCGCCGACACCTACGCACAG	8717	AQTKTADTYAQ	13306	TKTADTY	0.173226	0.171999
SyS2035	4129	GCCCAAGTTATGCCTGCTACGTTGAGTGCACAG	8718	AQVMPATLSAQ	13307	VMPATLS	0.173152	-0.19254
GS1188	4130	GCCCAATACCAAGCCAACAACCTCATCGCACAG	8719	AQYQANNLIAQ	13308	YQANNLI	0.17301	-0.15955
SyS2036	4131	GCCCAAGTCAGAGTCCCCGACAGCAGCGCACAG	8720	AQVRVPDSSAQ	13309	VRVPDSS	0.172979	-0.09411
SyS2037	4132	GCCCAACACCAAACCGGCAGCGGCTTCGCACAG	8721	AQHQTGSGFAQ	13310	HQTGSGF	0.172861	-0.04462
SyS2038	4133	GCCCAAAGTGCTACGTTGAGTGGGTATGCACAG	8722	AQSATLSGYAQ	13311	SATLSGY	0.172673	-0.16344
GS1189	4134	GCCCAAAATGGTTCTGCGACGTATTCTGCACAG	8723	AQNGSATYSAQ	13312	NGSATYS	0.172618	0.021489
GS1190	4135	GCCCAAAGCACCAGACCCACCCTCACCGCACAG	8724	AQSTRPTLTAQ	13313	STRPTLT	0.172526	-0.15048
SyS2039	4136	GCCCAAAGACCCCGCCGACGTCAGCCAAGCACAG	8725	AQRPADVSQAQ	13314	RPADVSQ	0.172441	-0.14526
GS1191	4137	GCCCAAAGCCACCTCAGCAGCACCGGCGCACAG	8726	AQSHLSSTGAQ	13315	SHLSSTG	0.172433	-0.18637

도면33ds

GS1192	4138	GCCCAAGCTAATCAGTCTTATGATCGGGCACAG	8727	AQANQSYDRAQ	13316	ANQSYDR	0.172433	-0.18637
SyS2040	4139	GCCCAAAGCAGCGGCGACAGAACCGCCGCACAG	8728	AQSSGDRTAAQ	13317	SSGDRTA	0.172372	-0.21448
SyS2041	4140	GCCCAAGGCAGCGTCCCCGGCCTCAACGCACAG	8729	AQGSVPGLNAQ	13318	GSVPGLN	0.172134	-0.22803
SyS2043	4141	GCCCAACTCGTCACCATCCACAGCGCCGCACAG	8730	AQLVTIHSAAQ	13319	LVTIHSA	0.171906	-0.22285
SyS2044	4142	GCCCAACCTCAGCATGAGACTACGCTGGCACAG	8731	AQPQHETTLAQ	13320	PQHETTL	0.171807	-0.21557
SyS2046	4143	GCCCAACCGACGAAGTCGGCGCAGTATGCACAG	8732	AQPTKSAQYAQ	13321	PTKSAQY	0.171667	-0.11931
GS1194	4144	GCCCAAAAAAAAGACCCCGTCCTCGGCGCACAG	8733	AQKKDPVLGAQ	13322	KKDPVLG	0.171636	-0.17919
SyS2047	4145	GCCCAATTTAGGGTTGGTCCGTCTGCTGCACAG	8734	AQFRVGPSAAQ	13323	FRVGPSA	0.171598	-0.19739
SyS2048	4146	GCCCAAACCAGCAGCGGCCAGCCGTCGCACAG	8735	AQTSSGHAVAQ	13324	TSSGHAV	0.17151	-0.12824
SyS2049	4147	GCCCAACGTGTTGGTGAGGCTAGGATGGCACAG	8736	AQRVGEARMAQ	13325	RVGEARM	0.171462	-0.18284
SyS2050	4148	GCCCAACGTGTTACGTCGCCTTCTAAGGCACAG	8737	AQRVTSPSKAQ	13326	RVTSPSK	0.171402	-0.17557
SyS2051	4149	GCCCAAGATAGGATGCCTTCTACGATTGCACAG	8738	AQDRMPSTIAQ	13327	DRMPSTI	0.171373	-0.17193
SyS2052	4150	GCCCAACAAGGCGACACCAGCAAACACGCACAG	8739	AQQGDTSKHAQ	13328	QGDTSKH	0.171295	-0.16102
GS1195	4151	GCCCAAAGCACCAGCAGCAACAGAGCCGCACAG	8740	AQSTSSNRAAQ	13329	STSSNRA	0.171266	-0.12044
GS1196	4152	GCCCAAAAGGTGCCTACGGGTTATACGGCACAG	8741	AQKVPTGYTAQ	13330	KVPTGYT	0.171266	-0.14334
SyS2053	4153	GCCCAATTCAAAGGCCAAAGAAACGACGCACAG	8742	AQFKGQRNDAQ	13331	FKGQRND	0.171225	-0.15011
SyS2055	4154	GCCCAAGGTAATCATTTGGGGAATGAGGCACAG	8743	AQGNHLGNEAQ	13332	GNHLGNE	0.170544	-0.18245
SyS2056	4155	GCCCAAGCCAGCAAAAGCTTCGAACTCGCACAG	8744	AQASKSFELAQ	13333	ASKSFEL	0.170464	-0.08466
SyS2057	4156	GCCCAAACCGTCAGAGACACCACCAGAGCACAG	8745	AQTVRDTTRAQ	13334	TVRDTTR	0.170442	0.262057
GS1199	4157	GCCCAAAAGGTTAGTCCGAATACTCTTGCACAG	8746	AQKVSPNTLAQ	13335	KVSPNTL	0.170349	-0.16484
GS1201	4158	GCCCAAGGCAGAACCCCCGAAAGCTACGCACAG	8747	AQGRTPESYAQ	13336	GRTPESY	0.16998	-0.18368
SyS2058	4159	GCCCAACAGGTGTCGGGGGTTAGGACGGCACAG	8748	AQQVSGVRTAQ	13337	QVSGVRT	0.169959	-0.11859
SyS2059	4160	GCCCAATACACCGGCATCAGCACCAGCGCACAG	8749	AQYTGISTSAQ	13338	YTGISTS	0.169959	-0.13314
SyS2060	4161	GCCCAACAAACCGCCGAACCCCACAAAGCACAG	8750	AQQTAEPHKAQ	13339	QTAEPHK	0.169959	-0.16223
SyS2061	4162	GCCCAACTTGGTCCTGTGGGTTCTCCGGCACAG	8751	AQLGPVGSPAQ	13340	LGPVGSP	0.169959	-0.16587
SyS2062	4163	GCCCAAGCCAGAGACGACAGCACCGACGCACAG	8752	AQARDDSTDAQ	13341	ARDDSTD	0.169959	-0.22042
SyS2063	4164	GCCCAAAATTTTAAGCATAGTGAGGTGGCACAG	8753	AQNFKHSEVAQ	13342	NFKHSEV	0.169959	-0.22042
GS1202	4165	GCCCAAATTACTACTCCTCTGCAGGGGCACAG	8754	AQITTPLQAAQ	13343	ITTPLQA	0.169823	-0.18188
SyS2066	4166	GCCCAACCCATGAGCAGCAGAGAAAGAGCACAG	8755	AQPMSSRERAQ	13344	PMSSRER	0.169722	-0.10113
GS1204	4167	GCCCAAGTCGAAAACGGGCAAAGGCCTGCACAG	8756	AQVENGKGLAQ	13345	VENGKGL	0.169651	-0.13239
SyS2067	4168	GCCCAAACCAGCAACAGCGGCCTCGCCGCACAG	8757	AQTSNSGLAAQ	13346	TSNSGLA	0.169432	-0.02428
SyS2068	4169	GCCCAAGGCAACAGCCTCGCCAACCCCGCACAG	8758	AQGNSLANPAQ	13347	GNSLANP	0.169287	-0.15041

도면33dt

SS131	4170	GCCCAAGCCAGCAACGAAGCCCACGCCGCACAG	8759	AQASNEAHAAQ	13348	ASNEAHA	0.169245	-0.37022
GS1207	4171	GCCCAAGGCCTCGCCGGCAGCACCCCCGCACAG	8760	AQGLAGSTPAQ	13349	GLAGSTP	0.169127	-0.18245
SyS2069	4172	GCCCAAGTCCCCGCCCCCGGCAGATACGCACAG	8761	AQVPAPGRYAQ	13350	VPAPGRY	0.169081	-0.19353
GS1208	4173	GCCCAAGCCAGCGACAGACTCATCGCCGCACAG	8762	AQASDRLIAAQ	13351	ASDRLIA	0.168842	-0.14151
GS1209	4174	GCCCAAATCAGCACCTGGCAAACCCAAGCACAG	8763	AQISTWQTQAQ	13352	ISTWQTQ	0.168829	-0.1447
SyS2070	4175	GCCCAAATCACCAGCGGCGCCACCGTCGCACAG	8764	AQITSGATVAQ	13353	ITSGATV	0.168795	-0.1344
GS1210	4176	GCCCAACTTGCGAAGGCGAGTAATGTTGCACAG	8765	AQLAKASNVAQ	13354	LAKASNV	0.168765	-0.10613
SyS2071	4177	GCCCAACCGCAGGGGACGTTTGGGAGTGCACAG	8766	AQPQGTFGSAQ	13355	PQGTFGS	0.168707	-0.1489
SyS2072	4178	GCCCAAATTGTTCGGCCGCCGAATAGTGCACAG	8767	AQIVRPPNSAQ	13356	IVRPPNS	0.168685	-0.15253
SyS2073	4179	GCCCAAACCAGCCACCTCACCAGCGCCGCACAG	8768	AQTSHLTSAAQ	13357	TSHLTSA	0.16862	-0.07746
SyS2075	4180	GCCCAACTCCACCCCGAAACCATGAGAGCACAG	8769	AQLHPETMRAQ	13358	LHPETMR	0.168589	-0.16708
SyS2076	4181	GCCCAAGTCCTCCACGACACCAGATACGCACAG	8770	AQVLHDTRYAQ	13359	VLHDTRY	0.168547	-0.14967
SS132	4182	GCCCAAGTCAGCAACCCCCCCAGAGGCGCACAG	8771	AQVSNPPRGAQ	13360	VSNPPRG	0.168542	-0.36117
GS1211	4183	GCCCAAGAGCCTCTGATGACTAGGCCTGCACAG	8772	AQEPLMTRPAQ	13361	EPLMTRP	0.168414	-0.16214
GS1212	4184	GCCCAAGACAGAGTCAGCAGCCAGCCACGCACAG	8773	AQDRVSSSHAQ	13362	DRVSSSH	0.168392	0.004781
GP175	4185	GCCCAAACTAAGACTGGTCATTCGAGTGCACAG	8774	AQTKTGHSSAQ	13363	TKTGHSS	0.168367	-0.07287
GS1213	4186	GCCCAATCGTCGTATTCTCCTGTTACTGCACAG	8775	AQSSYSPVTAQ	13364	SSYSPVT	0.168316	-0.08904
GS1214	4187	GCCCAAAAACCCAACCTCCAAAACAACGCACAG	8776	AQKPNLQNNAQ	13365	KPNLQNN	0.168309	-0.10113
SyS2077	4188	GCCCAACTCAAAGCCCCCCCGGCATCGCACAG	8777	AQLKSPPGIAQ	13366	LKSPPGI	0.168269	-0.20345
SyS2078	4189	GCCCAAGGGATGCAGCTGGGGATGCCCGGCACAG	8778	AQGMQLGMPAQ	13367	GMQLGMP	0.168244	-0.00148
SyS2079	4190	GCCCAACATCAGGCGAATCTTACGTTGGCACAG	8779	AQHQANLTLAQ	13368	HQANLTL	0.168142	-0.21436
GS1215	4191	GCCCAAACTGGTCATCCTACGACTGCGGCACAG	8780	AQTGHPTTAAQ	13369	TGHPTTA	0.168138	-0.09841
GS1216	4192	GCCCAATTCATCGGCAGCCACCTCGGCGCACAG	8781	AQFIGSHLGAQ	13370	FIGSHLG	0.168096	-0.14906
SyS2081	4193	GCCCAAAGGAATGAGAGTAATGGGCCGGCACAG	8782	AQRNESNGPAQ	13371	RNESNGP	0.167998	-0.2305
SyS2082	4194	GCCCAAAAGATTGAGACGAATGGTAATGCACAG	8783	AQKIETNGNAQ	13372	KIETNGN	0.167998	-0.21078
SyS2083	4195	GCCCAATATCTTCAGAATGGTGTTGTTGCACAG	8784	AQYLQNGVVAQ	13373	YLQNGVV	0.167795	-0.04255
SyS2084	4196	GCCCAAAGACCCGGCATGCTCGGCACCGCACAG	8785	AQRPGMLGTAQ	13374	RPGMLGT	0.167685	-0.12829
SyS2085	4197	GCCCAATTGACGCAGATTGGGACTGCTGCACAG	8786	AQLTQIGTAAQ	13375	LTQIGTA	0.167589	-0.03508
GS1218	4198	GCCCAAAACGAAGACGTCCAAAGAGCCGCACAG	8787	AQNEDVQRAAQ	13376	NEDVQRA	0.1675	-0.13213
SyS2086	4199	GCCCAACATTTGGCTGATCAGAGTCGTGCACAG	8788	AQHLADQSRAQ	13377	HLADQSR	0.167422	-0.00573
SyS2087	4200	GCCCAATTGGGTAATGATACGGTGAGGGCACAG	8789	AQLGNDTVRAQ	13378	LGNDTVR	0.167404	-0.15374
SyS2091	4201	GCCCAAAACAACCACCACGTCCCCCCGCACAG	8790	AQNNHHVPPAQ	13379	NNHHVPP	0.167167	0.019492

도면33du

GS1220	4202	GCCCAAGACAAAGCCGGCACCCTCAGCGCACAG	8791	AQDKAGTLSAQ	13380	DKAGTLS	0.167139	-0.12171
SyS2093	4203	GCCCAACGTACTAAGAATGAGTCGATGGCACAG	8792	AQRTKNESMAQ	13381	RTKNESM	0.167044	-0.1792
SyS2094	4204	GCCCAATTTAATGTTGTGCGTGGTGATGCACAG	8793	AQFNVVRGDAQ	13382	FNVVRGD	0.167044	-0.1792
SyS2095	4205	GCCCAAATCGTCAGAGGCATGAACCAAGCACAG	8794	AQIVRGMNQAQ	13383	IVRGMNQ	0.166951	-0.18861
SyS2096	4206	GCCCAACAACACACCCCCACCCTCAACGCACAG	8795	AQQHTPTLNAQ	13384	QHTPTLN	0.166887	-0.19846
GS1222	4207	GCCCAAAGCCTCGGCAAAGAACCCCTCGCACAG	8796	AQSLGKEPLAQ	13385	SLGKEPL	0.166818	-0.16484
SyS2097	4208	GCCCAAAGCAGCGGCCACGGCCTCAACGCACAG	8797	AQSSGHGLNAQ	13386	SSGHGLN	0.166803	0.1418
GS1223	4209	GCCCAACGGATTAATAGTGATTCTACTGCACAG	8798	AQRINSDSTAQ	13387	RINSDST	0.16679	-0.12903
SyS2098	4210	GCCCAAAATCCGCATAATCATCCTGTTGCACAG	8799	AQNPHNHPVAQ	13388	NPHNHPV	0.166789	-0.19375
SyS2100	4211	GCCCAATCGCATAAGCCGTCGACGGTTGCACAG	8800	AQSHKPSTVAQ	13389	SHKPSTV	0.166718	-0.19739
SyS2101	4212	GCCCAAAGCAGCATGAGCACCACCTACGCACAG	8801	AQSSMSTTYAQ	13390	SSMSTTY	0.166718	-0.19739
SyS2102	4213	GCCCAAGGTGCTGCTGCTTCTAATCCTGCACAG	8802	AQGAAASNPAQ	13391	GAAASNP	0.166693	-0.11859
GS1224	4214	GCCCAAATGAACCAAAGAGAACAAAAGCACAG	8803	AQMNQREQKAQ	13392	MNQREQK	0.166658	-0.16125
SyS2103	4215	GCCCAATCGTATCCTAGTAATCCGCGGGCACAG	8804	AQSYPSNPRAQ	13393	SYPSNPR	0.166484	-0.2083
SyS2104	4216	GCCCAACTGCGTGATTTTGTGACTGATGCACAG	8805	AQLRDFVTDAQ	13394	LRDFVTD	0.166484	-0.2083
GS1225	4217	GCCCAAAACAACACCGTCATGAGAAGCGCACAG	8806	AQNNTVMRSAQ	13395	NNTVMRS	0.166403	0.078355
SyS2105	4218	GCCCAACTCAGCCCCAGAAAATACATCGCACAG	8807	AQLSPRKYIAQ	13396	LSPRKYI	0.166309	-0.21557
SyS2106	4219	GCCCAACACATCAGACCCCCCCAGCCCCGCACAG	8808	AQHIRPPSPAQ	13397	HIRPPSP	0.166309	-0.21557
SyS2107	4220	GCCCAACCTTATGTGTCGACTACTGCGGCACAG	8809	AQPYVSTTAAQ	13398	PYVSTTA	0.166295	-0.20216
SyS2108	4221	GCCCAAGTCAACCACGGCAGCCCCCACCGCACAG	8810	AQVNHGSPTAQ	13399	VNHGSPT	0.166263	-0.07616
SyS2109	4222	GCCCAAAGTGGTTATCTTAATGGTGCGGCACAG	8811	AQSGYLNGAAQ	13400	SGYLNGA	0.166181	-0.21202
SyS2110	4223	GCCCAAAGTCGGGAGAGGACGTCTGATGCACAG	8812	AQSRERTSDAQ	13401	SRERTSD	0.166115	-0.01918
GS1227	4224	GCCCAAACCCACAGCGTCACCAGAAGCGCACAG	8813	AQTHSVTRSAQ	13402	THSVTRS	0.166033	-0.10592
GS1228	4225	GCCCAACTTGTTGCGAATAAGAATGCGGCACAG	8814	AQLVANKNAAQ	13403	LVANKNA	0.16597	-0.12426
GS1229	4226	GCCCAAAATTTTACGGATCGTGCTACTGCACAG	8815	AQNFTDRATAQ	13404	NFTDRAT	0.165948	-0.16337
SyS2111	4227	GCCCAATATAGGACGAGTACTTTGGCGGCACAG	8816	AQYRTSTLAAQ	13405	YRTSTLA	0.165933	-0.09069
GS1230	4228	GCCCAACACGTCATGAACAAACAAGCCGCACAG	8817	AQHVMNKQAAQ	13406	HVMNKQA	0.165928	-0.14151
SyS2112	4229	GCCCAAGCCACCAACAACCCCGCCAGCGCACAG	8818	AQATNNPASAQ	13407	ATNNPAS	0.1659	-0.23012
SyS2113	4230	GCCCAAACCATCATGAAAGCCCAAACCGCACAG	8819	AQTIMKAQTAQ	13408	TIMKAQT	0.1659	0.100294
SyS2114	4231	GCCCAAGGCATGAGCACCATGACCCCCGCACAG	8820	AQGMSTMTPAQ	13409	GMSTMTP	0.165745	-0.07802
GS1231	4232	GCCCAAGGCACCCCCATCTACAAACAAGCACAG	8821	AQGTPIYKQAQ	13410	GTPIYKQ	0.165686	-0.18188
SyS2115	4233	GCCCAAAATGGTACGTTGGAGAAGGCGGCACAG	8822	AQNGTLEKAAQ	13411	NGTLEKA	0.165659	-0.05555

도면33dv

SyS2116	4234	GCCCAAAGCAACGAAAGAACCATCCCGCACAG	8823	AQSNERTIPAQ	13412	SNERTIP	0.165594	-0.1198
SyS2117	4235	GCCCAAATTCCGGTGTCTATTCAGGCTGCACAG	8824	AQIPVSIQAAQ	13413	IPVSIQA	0.165516	-0.17998
SyS2118	4236	GCCCAAAACCTCCAAAGAGAAGGCCCCGCACAG	8825	AQNLQREGPAQ	13414	NLQREGP	0.165401	-0.00546
GS1234	4237	GCCCAAGGGGAGGGTGGTAAGTCTAATGCACAG	8826	AQGEGGKSNAQ	13415	GEGGKSN	0.165262	-0.17672
SyS2119	4238	GCCCAATTGCAGGGTAATGGGAGGAATGCACAG	8827	AQLQGNGRNAQ	13416	LQGNGRN	0.165238	-0.13798
GS1236	4239	GCCCAACTCGTCAGCAGCACCAGCGAAGCACAG	8828	AQLVSSTSEAQ	13417	LVSSTSE	0.165149	-0.17863
SyS2120	4240	GCCCAAAGCCTCGCCGGCAACACCACCGCACAG	8829	AQSLAGNTTAQ	13418	SLAGNTT	0.165128	-0.11547
SyS2122	4241	GCCCAATTGACTGTTGGTAATAATGTGGCACAG	8830	AQLTVGNNVAQ	13419	LTVGNNV	0.164995	-0.1489
SyS2123	4242	GCCCAAAGCATCCTCACCAGAGACAGCGCACAG	8831	AQSILTRDSAQ	13420	SILTRDS	0.164909	-0.15253
SyS2124	4243	GCCCAAGTTCTTGTTGATTCGCGTGCGGCACAG	8832	AQVLVDSRAAQ	13421	VLVDSRA	0.164849	-0.20588
SyS2125	4244	GCCCAAGGCGTCGCCAGCACACCACCGCACAG	8833	AQGVASTTTAQ	13422	GVASTTT	0.164819	-0.15617
SyS2126	4245	GCCCAACACGGCGCCAACCTCAGCGTCGCACAG	8834	AQHGANLSVAQ	13423	HGANLSV	0.164788	-0.05676
SyS2127	4246	GCCCAATCGTTTAATCAGCCGTCTGTTGCACAG	8835	AQSFNQPSVAQ	13424	SFNQPSV	0.164762	-0.04976
GS1238	4247	GCCCAACTCAACCAAAACCAAAGAGTCGCACAG	8836	AQLNQNQRVAQ	13425	LNQNQRV	0.164752	-0.15317
SyS2128	4248	GCCCAAAGAATCGACAGCCAAGACACCGCACAG	8837	AQRIDSQDTAQ	13426	RIDSQDT	0.164726	-0.20951
GS1239	4249	GCCCAAACCGTCCCCGGCAGACCCAGCGCACAG	8838	AQTVPGRPSAQ	13427	TVPGRPS	0.164623	-0.14779
SyS2130	4250	GCCCAACGTGAGCCGAATAATACGAGTGCACAG	8839	AQREPNNTSAQ	13428	REPNNTS	0.164588	-0.05033
SyS2131	4251	GCCCAAGAAAGAATGACCATGCACGCCGCACAG	8840	AQERMTMHAAQ	13429	ERMTMHA	0.164489	-0.12101
GS1240	4252	GCCCAAATTGCTATTCAGAATGATCGGGCACAG	8841	AQIAIQNDRAQ	13430	IAIQNDR	0.164441	-0.14603
SyS2132	4253	GCCCAACTTGGGGCTCAGTCTATTTCGGCACAG	8842	AQLGAQSISAQ	13431	LGAQSIS	0.164426	-0.17072
SS136	4254	GCCCAAGCGGGGGATAAGACGTATGTTGCACAG	8843	AQAGDKTVVAQ	13432	AGDKTVV	0.164227	-0.35249
SyS2135	4255	GCCCAAATGAATAGGACTGCGTATACTGCACAG	8844	AQMNRTAYTAQ	13433	MNRTAYT	0.164206	-0.17799
SyS2136	4256	GCCCAAGCGCTGCCTGGGGGTCTTATGGCACAG	8845	AQALPGGLMAQ	13434	ALPGGLM	0.164168	-0.22406
GS1241	4257	GCCCAACTCAAAAACCACGACACCACCGCACAG	8846	AQLKNHDTTAQ	13435	LKNHDTT	0.164164	-0.02897
SyS2138	4258	GCCCAACCCCTCAACTACGCCCTCGAAGCACAG	8847	AQPLNYALEAQ	13436	PLNYALE	0.164085	-0.2231
SyS2139	4259	GCCCAAAGCAAACAAATGCACAACGACGCACAG	8848	AQSKQMHNDAQ	13437	SKQMHND	0.163943	-0.14283
SyS2140	4260	GCCCAAACGGCGCATACGACTCCTTTGCACAG	8849	AQTAHTTPFAQ	13438	TAHTTPF	0.163842	-0.14647
SyS2141	4261	GCCCAACTCAAAACCGGCGACAGCCAAGCACAG	8850	AQLKTGDSQAQ	13439	LKTGDSQ	0.163842	-0.14647
SyS2142	4262	GCCCAATATTCTACGACGGCTGAGTATGCACAG	8851	AQYSTTAEYAQ	13440	YSTTAEY	0.163781	-0.19107
SyP66	4263	GCCCAACCGCTGGATCGGACGGGTGAGGCACAG	8852	AQPLDRTGEAQ	13441	PLDRTGE	0.163769	-0.04278
SyS2144	4264	GCCCAAGGCCCCGGCGAAGTCAAAATCGCACAG	8853	AQGPGEVKIAQ	13442	GPGEVKI	0.163669	-0.17505
GS1243	4265	GCCCAACTCAGAAACCTCGACCTCAACGCACAG	8854	AQLRNLDLNAQ	13443	LRNLDLN	0.163512	-0.09845

도면33dw

SyS2145	4266	GCCCAACTGGGGTCTACTTTGACTAAGGCACAG	8855	AQLGSTLTKAQ	13444	LGSTLTK	0.163495	-0.14302
GS1244	4267	GCCCAATTGAGGCCTGTGAGTGAGCATGCACAG	8856	AQLRPVSEHAQ	13445	LRPVSEH	0.1634	-0.16842
GS1245	4268	GCCCAAAGTAGGAGTCTGACTGAGATGGCACAG	8857	AQSRSLTEMAQ	13446	SRSLTEM	0.163369	-0.17577
SyS2147	4269	GCCCAAAACGGCCTCAGCACCACCATGGCACAG	8858	AQNGLSTTMAQ	13447	NGLSTTM	0.163348	-0.16889
GS1247	4270	GCCCAACATGATAAGACGTATGCGATGGCACAG	8859	AQHDKTYAMAQ	13448	HDKTYAM	0.163317	-0.16304
SyS2148	4271	GCCCAAGTTCCGTCGGATAAGATGCGTGCACAG	8860	AQVPSDKMRAQ	13449	VPSDKMR	0.163313	-0.2268
SyS2149	4272	GCCCAAGGCGCCCACAACCTCCTCACCGCACAG	8861	AQGAHNLLTAQ	13450	GAHNLLT	0.163277	-0.20345
GS1248	4273	GCCCAAAGCACCAGCACCATGGTCATGGCACAG	8862	AQSTSTMVMAQ	13451	STSTMVM	0.163265	-0.11218
SS137	4274	GCCCAAAACATGGCCCACGAAAGCAAAGCACAG	8863	AQNMAHESKAQ	13452	NMAHESK	0.163246	-0.34932
SyS2151	4275	GCCCAATATCTTGGGGTGGGTGCTACTGCACAG	8864	AQYLGVGATAQ	13453	YLGVGAT	0.163021	-0.17193
SyS2152	4276	GCCCAAGCCAGCGAATACAACCAACACGCACAG	8865	AQASEYNQHAQ	13454	ASEYNQH	0.162953	-0.21072
SyS2153	4277	GCCCAAAGAGCCGAAGGCGACAAAATCGGCACAG	8866	AQRAEGDKIAQ	13455	RAEGDKI	0.162815	-0.18861
SyS2154	4278	GCCCAATCTAGTGGTAGTAGTTTTCATGCACAG	8867	AQSSGSSFHAQ	13456	SSGSSFH	0.162597	-0.218
SyS2155	4279	GCCCAATGGGGCAAAGAATACACCGGCGCACAG	8868	AQWGKEYTGAQ	13457	WGKEYTG	0.162268	-0.12824
SyS2156	4280	GCCCAACCTGCTTCGGGGGCTATGCCTGCACAG	8869	AQPASGAMPAQ	13458	PASGAMP	0.16218	0.044005
SyS2158	4281	GCCCAAAGGGGGGCGGTTGTTGTGGCTGCACAG	8870	AQRGAVVVAAQ	13459	RGAVVVA	0.161915	-0.16587
GS1249	4282	GCCCAAGTGATGATGCAGAATCATGCTGCACAG	8871	AQVMMQNHAAQ	13460	VMMQNHA	0.161911	-0.12712
GS1250	4283	GCCCAACAAGACAGACTCCAAAGCAGAGCACAG	8872	AQQDRLQSRAQ	13461	QDRLQSR	0.161891	-0.14906
SyS2159	4284	GCCCAAGGTCATGCTGCTGTTTCTGTGGCACAG	8873	AQGHAAVSVAQ	13462	GHAAVSV	0.161865	0.031161
SyS2160	4285	GCCCAAGACAAAACGGACAGCACCCCCGCACAG	8874	AQDKTDSTPAQ	13463	DKTDSTP	0.161817	-0.20216
GP176	4286	GCCCAAGTGCCTCCGACTTCTTTTACTGCACAG	8875	AQVPPTSFTAQ	13464	VPPTSFT	0.161782	-0.06149
GS1251	4287	GCCCAAGTCGGCCCCAACGCCCAAACACGCACAG	8876	AQVGPNAQHAQ	13465	VGPNAQH	0.16174	-0.06577
SyS2161	4288	GCCCAACATCATGGTCGGGCTGATACTGCACAG	8877	AQHHGRADTAQ	13466	HHGRADT	0.161642	-0.23419
GS1253	4289	GCCCAACATGTTAATATGGGTCCGGCGGCACAG	8878	AQHVNMGPAAQ	13467	HVNMGPA	0.161627	-0.1747
SyS2162	4290	GCCCAACACGCCACCAAAGAAACCAGCGCACAG	8879	AQHATKETSAQ	13468	HATKETS	0.161604	-0.17998
SyS2163	4291	GCCCAATTGGCTACGGGTGTGAGTAATGCACAG	8880	AQLATGVSNAQ	13469	LATGVSN	0.161594	-0.07794
SyS2164	4292	GCCCAAAGCCTCGGCAGCTACCCCACCGCACAG	8881	AQSLGSYPTAQ	13470	SLGSYPT	0.1614	-0.11737
SyS2165	4293	GCCCAAGGCAGCAAAGCCTACGTCGGGCGCACAG	8882	AQGSKAYVGAQ	13471	GSKAYVG	0.161272	-0.12101
SyS2167	4294	GCCCAACAAGACAGAATGAGCGTCAACGCACAG	8883	AQQDRMSVNAQ	13472	QDRMSVN	0.161186	-0.18954
SyS2168	4295	GCCCAATGGTCGGATTCTCTGAGGGATGCACAG	8884	AQWSDSLRDAQ	13473	WSDSLRD	0.161166	-0.21194
SyS2169	4296	GCCCAAACGAAGGTGCCTATGACTCAGGCACAG	8885	AQTKVPMTQAQ	13474	TKVPMTQ	0.161135	-0.08946
SyS2170	4297	GCCCAATCTCCGTTGTCTGATCGGTTGGCACAG	8886	AQSPLSDRLAQ	13475	SPLSDRL	0.161094	-0.18405

도면33dx

SyS2171	4298	GCCCAACTGTATGGTAGTTCGGTTGTTGCACAG	8887	AQLYGSSVVAQ	13476	LYGSSVV	0.161094	-0.18405
SyS2172	4299	GCCCAACCGACGCAGACTGTTAGTTCGGCACAG	8888	AQPTQTVSSAQ	13477	PTQTVSS	0.161094	-0.18405
GP178	4300	GCCCAACTGAATAAGCTGCTTGGGGCGGCACAG	8889	AQLNKLLGAAQ	13478	LNKLLGA	0.160777	0.340925
SyS2173	4301	GCCCAACATTCTAATCAGGAGCCTCGGGCACAG	8890	AQHSNQEPRAQ	13479	HSNQEPR	0.160633	-0.17106
SyS2174	4302	GCCCAAAACGGCGCCAGCATCCACAGCGCACAG	8891	AQNGASIHSAQ	13480	NGASIHS	0.16061	0.144677
SyS2175	4303	GCCCAACTCAGCCAACAAAGACTCCAAGCACAG	8892	AQLSQQRLQAQ	13481	LSQQRLQ	0.160413	-0.02302
GS1258	4304	GCCCAACTCCCCCACGGCACCATGAACGCACAG	8893	AQLPHGTMNAQ	13482	LPHGTMN	0.160361	-0.12536
SyS2176	4305	GCCCAAAGCAGCCCCGACGCCAAATACGCACAG	8894	AQSSPDAKYAQ	13483	SSPDAKY	0.160306	-0.1986
GS1259	4306	GCCCAATTCCACACCCCCGCCGGCAACGCACAG	8895	AQFHTPAGNAQ	13484	FHTPAGN	0.160249	-0.13792
SyS2177	4307	GCCCAAAGAACCACCGCCAACAGCCTCGCACAG	8896	AQRTTANSLAQ	13485	RTTANSL	0.16022	-0.09434
SyS2178	4308	GCCCAATTGGATAAGACTATTCCTCAGGCACAG	8897	AQLDKTIPQAQ	13486	LDKTIPQ	0.160087	-0.20224
SyS2179	4309	GCCCAATGGCAAGGCAACAGACAAGCCGCACAG	8898	AQWQGNRQAAQ	13487	WQGNRQA	0.160025	-0.07373
SyS2181	4310	GCCCAAGGGTATGGTACGATTACGCCTGCACAG	8899	AQGYGTITPAQ	13488	GYGTITP	0.159821	-0.02887
GS1260	4311	GCCCAAATGAGAGAACAAAACAAAGCCGCACAG	8900	AQMREQNKAAQ	13489	MREQNKA	0.15981	-0.17201
SyS2183	4312	GCCCAAAACCTCGCCGGCCTCACCGGCGCACAG	8901	AQNLAGLTGAQ	13490	NLAGLTG	0.159698	-0.16889
SyS2184	4313	GCCCAATGGTTTAAGGCTGGGAGTGCTGCACAG	8902	AQWFKAGSAAQ	13491	WFKAGSA	0.159617	-0.20951
SyS2185	4314	GCCCAAATCAACGTCGCCCCCTACAAAGCACAG	8903	AQINVAPYKAQ	13492	INVAPYK	0.159555	-0.16102
SyS2186	4315	GCCCAAGGGGGTGCATTCGAATGGTCAGGCACAG	8904	AQGVHSNGQAQ	13493	GVHSNGQ	0.159514	-0.10739
SyS2187	4316	GCCCAAATGAGCGCCAGCACCAACACCGCACAG	8905	AQMSASTNTAQ	13494	MSASTNT	0.15942	-0.1344
GS1263	4317	GCCCAAGGCAGCCACAACGCCCAAGGCGCACAG	8906	AQGSHNAQGAQ	13495	GSHNAQG	0.159285	-0.08901
SyS2189	4318	GCCCAAATCAGCGCCGTCCCCAAAAACGCACAG	8907	AQISAVPKNAQ	13496	ISAVPKN	0.159253	-0.17875
SyS2190	4319	GCCCAAGCCGCGCGGCATGCAAAACGCACAG	8908	AQAGGGMQNAQ	13497	AGGGMQN	0.159207	-0.1198
SyS2191	4320	GCCCAACTCCTCAACACCACCAGCACCGCACAG	8909	AQLLNTTSTAQ	13498	LLNTTST	0.159024	0.011774
SyS2192	4321	GCCCAAACTAATACTGTGAGTGCTAGTGCACAG	8910	AQTNTVSASAQ	13499	TNTVSAS	0.158935	0.332609
SyS2193	4322	GCCCAACAGTTGTCTCCGATTGCTATGGCACAG	8911	AQQLSPIAMAQ	13500	QLSPIAM	0.158902	-0.19618
GS1264	4323	GCCCAAGCGCCGCGGGGTGTTAATTTGGCACAG	8912	AQAPRGVNLAQ	13501	APRGVNL	0.158854	-0.18149
SyS2194	4324	GCCCAACTTACTCGTACGTCGGTGGATGCACAG	8913	AQLTRTSVDAQ	13502	LTRTSVD	0.158821	-0.01311
SyS2195	4325	GCCCAACTGGGGCAGAAGGCGCCTACTGCACAG	8914	AQLGQKAPTAQ	13503	LGQKAPT	0.158804	-0.1069
SyS2196	4326	GCCCAAAAGAATGCGCCGCCTCTGACGGCACAG	8915	AQKNAPPLTAQ	13504	KNAPPLT	0.158756	-0.21694
SyS2197	4327	GCCCAAGTCAGAAACGCCGTCCACGCCGCACAG	8916	AQVRNAVHAAQ	13505	VRNAVHA	0.158629	-0.12577
SyS2198	4328	GCCCAAATCAGACACATGGACGCCCCCGCACAG	8917	AQIRHMDAPAQ	13506	IRHMDAP	0.158527	-0.1792
SyS2200	4329	GCCCAAGGTGCTCCTTTGGTTGCTACTGCACAG	8918	AQGAPLVATAQ	13507	GAPLVAT	0.15843	-0.17629

도면33dy

SyS2201	4330	GCCCAATCTGATCATAATGCTCGTGGGGCACAG	8919	AQSDHNARGAQ	13508	SDHNARG	0.158426	-0.15859
SyS2202	4331	GCCCAAATCAGCGACACCCTCCACTACGCACAG	8920	AQISDTLHYAQ	13509	ISDTLHY	0.158424	-0.08821
GS1266	4332	GCCCAAAACAACAGAGGCAGCATCAGCGCACAG	8921	AQNNRGSISAQ	13510	NNRGSIS	0.158422	-0.05843
GS1267	4333	GCCCAACAAAGAGAAAGAGACGGCGTCGCACAG	8922	AQQRERDGVAQ	13511	QRERDGV	0.158316	-0.10804
SyS2203	4334	GCCCAAAGTAAGCAGGATGTGCGTGCTGCACAG	8923	AQSKQDVRAAQ	13512	SKQDVRA	0.158297	-0.18284
SyS2204	4335	GCCCAAAACAGCGGCAGACTCAACGTCGCACAG	8924	AQNSGRLNVAQ	13513	NSGRLNV	0.158284	-0.17013
SyS2205	4336	GCCCAAGGCCCCAGCGTCGAAAGCAACGCACAG	8925	AQGPSVESNAQ	13514	GPSVESN	0.158284	-0.23296
GS1268	4337	GCCCAATTGCTTTCTTCTTCGCCTTCTGCACAG	8926	AQLLSSSPSAQ	13515	LLSSSPS	0.158261	-0.16394
SyS2206	4338	GCCCAAAAAGTCCTCGTCAGCGGCAGCGCACAG	8927	AQKVLVSGSAQ	13516	KVLVSGS	0.158127	-0.20709
SyS2207	4339	GCCCAAGATGTGCGGAATACTATTGCTGCACAG	8928	AQDVRNTIAAQ	13517	DVRNTIA	0.158027	-0.07579
GS1270	4340	GCCCAACATAAGTTGGTGACGAAGGATGCACAG	8929	AQHKLVTKDAQ	13518	HKLVTKD	0.157915	-0.1747
GS1271	4341	GCCCAACCGTATGTTTCGGGTGTTCCTGCACAG	8930	AQPYVSGVPAQ	13519	PYVSGVP	0.157885	-0.11277
SyS2209	4342	GCCCAAACGACTAAGGCTTCGTTTACTGCACAG	8931	AQTTKASFTAQ	13520	TTKASFT	0.15776	-0.17998
GS1272	4343	GCCCAAACCCCCCACGGCCCCGACGCCGCACAG	8932	AQTPHGPDAAQ	13521	TPHGPDA	0.157568	-0.18368
SyS2210	4344	GCCCAAGATTATCGTCAGACTGATCATGCACAG	8933	AQDYRQTDHAQ	13522	DYRQTDH	0.157547	-0.17314
SyS2211	4345	GCCCAACACAGCCCCAAACCCGACCACGCACAG	8934	AQHSPKPDHAQ	13523	HSPKPDH	0.157547	-0.19375
SyS2212	4346	GCCCAAGCGTATGGTCAGGTGCCTCCTGCACAG	8935	AQAYGQVPPAQ	13524	AYGQVPP	0.157393	-0.07373
SyS2213	4347	GCCCAAAGCAACCAAGGCCTCGCCGGCGCACAG	8936	AQSNQGLAGAQ	13525	SNQGLAG	0.157367	-0.11495
SyS2214	4348	GCCCAAATCAACAGCCCCATCGGCAACGCACAG	8937	AQINSPIGNAQ	13526	INSPIGN	0.157315	-0.09779
SyS2215	4349	GCCCAACAAAACCAAATCATGAGCGGCGCACAG	8938	AQQNQIMSGAQ	13527	QNQIMSG	0.157275	-0.19739
SyS2216	4350	GCCCAAGTCTACCAAGGCAACCAAAACGCACAG	8939	AQVYQGNQNAQ	13528	VYQGNQN	0.157122	-0.05314
GS1273	4351	GCCCAAGGCAGCAACAGCCAACACACCGCACAG	8940	AQGSNSQHTAQ	13529	GSNSQHT	0.156944	-0.11091
SyS2217	4352	GCCCAAAAGCAGGAGCCGTCGGATAGGGCACAG	8941	AQKQEPSDRAQ	13530	KQEPSDR	0.156938	-0.14283
GS1274	4353	GCCCAACACAGAAGCAGCCCCGCCGCCGCACAG	8942	AQHRSSPAAAQ	13531	HRSSPAA	0.156784	-0.15945
SyS2219	4354	GCCCAAAATGAGGGGAATTCGATGAAGGCACAG	8943	AQNEGNSMKAQ	13532	NEGNSMK	0.156665	-0.08967
GS1277	4355	GCCCAAAGACCCGACAAAGGCCCCATGGCACAG	8944	AQRPDKGPMAQ	13533	RPDKGPM	0.156399	-0.15764
SyS2222	4356	GCCCAAGCGATTGTGTCTCATCCGCTGGCACAG	8945	AQAIVSHPLAQ	13534	AIVSHPL	0.156109	-0.19805
GS1279	4357	GCCCAAACCCAAGGCGAAAGACCCGTCGCACAG	8946	AQTQGERPVAQ	13535	TQGERPV	0.156022	-0.17386
SyS2225	4358	GCCCAATACGTCAACAGCGCCCCCAAAGCACAG	8947	AQYVNSAPKAQ	13536	YVNSAPK	0.155853	-0.17799
GS1280	4359	GCCCAACCTTCGGGGACTTCGATTGTGGCACAG	8948	AQPSGTSIVAQ	13537	PSGTSIV	0.155836	-0.17919
SyS2226	4360	GCCCAAAGCGTCGGCGCCAACAGAAGCGCACAG	8949	AQSVGANRSAQ	13538	SVGANRS	0.155529	-0.18491
SyS2227	4361	GCCCAATCTGCGCATTTTAATCATTCGGCACAG	8950	AQSAHFNHSAQ	13539	SAHFNHS	0.155529	-0.18491

도면33dz

GS1282	4362	GCCCAAAAAGTCAACAGCGCCCACCTCGCACAG	8951	AQKVNSAHLAQ	13540	KVNSAHL	0.155467	-0.17768
SyS2228	4363	GCCCAAGGTTTTGGGAATATGGGGGCTGCACAG	8952	AQGFGNMGAAQ	13541	GFGNMGA	0.155296	-0.15411
SS146	4364	GCCCAAAATCTTAAGCCTGAGACTGATGCACAG	8953	AQNLKPETDAQ	13542	NLKPETD	0.155264	-0.38304
SyS2230	4365	GCCCAACCGAATTCGAATACTGCGTTTGCACAG	8954	AQPNSNTAFAQ	13543	PNSNTAF	0.155257	-0.10441
SyS2231	4366	GCCCAACATGATACTCTGAGGACTCCTGCACAG	8955	AQHDTLRTPAQ	13544	HDTLRTP	0.155231	-0.15132
SyS2232	4367	GCCCAAAGGTTTCCGCAGGCGCCTCCGGCACAG	8956	AQRFPQAPPAQ	13545	RFPQAPP	0.155196	-0.11737
GS1283	4368	GCCCAATCGTCGGGTAATAAGTCGGATGCACAG	8957	AQSSGNKSDAQ	13546	SSGNKSD	0.155174	-0.17958
SyS2233	4369	GCCCAAATGTCGAAGATGGCGGATCGGGCACAG	8958	AQMSKMADRAQ	13547	MSKMADR	0.154977	-0.20588
SyS2234	4370	GCCCAAGAACACAGAAAACCAGCATCGCACAG	8959	AQEHRETSIAQ	13548	EHRETSI	0.154977	-0.20588
SyS2235	4371	GCCCAAAGCACCGAATACCCCGTCCCCGCACAG	8960	AQSTEVPVPAQ	13549	STEVPVP	0.154868	-0.20709
SyS2236	4372	GCCCAAGACAAAAGCATGAACCCCAGCGCACAG	8961	AQDKSMNPSAQ	13550	DKSMNPS	0.154833	-0.20093
SyS2238	4373	GCCCAAGAATACCACACAACCTCAAAGCACAG	8962	AQEYHNNLKAQ	13551	EYHNNLK	0.154533	-0.06931
SyS2240	4374	GCCCAAATTTTTACGAATACGGGTCATGCACAG	8963	AQIFTNTGHAQ	13552	IFTNTGH	0.154185	-0.1172
GS1286	4375	GCCCAAAAAAGCAACAGCCCCCTCGCCGCACAG	8964	AQKSNSPLAAQ	13553	KSNSPLA	0.154173	-0.02046
SyS2241	4376	GCCCAATACAGCAGCGGCTACAACGCCGCACAG	8965	AQYSSGYNAAQ	13554	YSSGYNA	0.154102	-0.11859
SyS2242	4377	GCCCAAGGTTCTAAGACGCAGGGGGATGCACAG	8966	AQGSKTQGDAQ	13555	GSKTQGD	0.154063	-0.07131
GS1287	4378	GCCCAAATTGTTTCTGGGTCGAGTCAGGCACAG	8967	AQIVSGSSQAQ	13556	IVSGSSQ	0.154011	-0.15192
SyS2243	4379	GCCCAAAGCCTCATCAACAGCACCTACGCACAG	8968	AQSLINSTYAQ	13557	SLINSTY	0.153985	-0.19981
SyS2244	4380	GCCCAAAACATGAAAATCCAACACGTCGCACAG	8969	AQNMKIQHVAQ	13558	NMKIQHV	0.153984	-0.21078
GS1288	4381	GCCCAAGATTCGACGAAGTTGGGTCATGCACAG	8970	AQDSTKLGHAQ	13559	DSTKLGH	0.153977	-0.10614
SyS2245	4382	GCCCAACAGTCGCATGGGACGTCTAGTGCACAG	8971	AQQSHGTSSAQ	13560	QSHGTSS	0.153941	-0.10525
GS1289	4383	GCCCAAAAAGACAACAACAGAAGCGCCGCACAG	8972	AQKDNNRSAAQ	13561	KDNNRSA	0.153885	-0.16432
GS1290	4384	GCCCAATTCCAACCCAGCTACGCCGCCGCACAG	8973	AQFQPSYAAAQ	13562	FQPSYAA	0.153844	-0.15586
SyS2247	4385	GCCCAACCCACCGTCCAAATGAAAGCCGCACAG	8974	AQPTVQMKAAQ	13563	PTVQMKA	0.153624	-0.20345
SyS2248	4386	GCCCAATCGCCGACGAGTAGTACTTTGCACAG	8975	AQSPTSSTFAQ	13564	SPTSSTF	0.153496	-0.11204
GS1291	4387	GCCCAAGGCAGAGACGCCAACGTCCCCGCACAG	8976	AQGRDANVPAQ	13565	GRDANVP	0.153342	-0.08109
SyS2251	4388	GCCCAAACCCTCATGAGCACCAGCCCCGCACAG	8977	AQTLMSTSPAQ	13566	TLMSTSP	0.153097	-0.16344
GS1292	4389	GCCCAACTGCATGGGGCTACTACGACTGCACAG	8978	AQLHGATTTAQ	13567	LHGATTT	0.153076	-0.10916
GS1293	4390	GCCCAAAGGACTAATGAGGTTATGCGGGCACAG	8979	AQRTNEVMRAQ	13568	RTNEVMR	0.153076	-0.18054
SyS2253	4391	GCCCAAGATAATCTGAGGGTTACGGCGGCACAG	8980	AQDNLRVTAAQ	13569	DNLRVTA	0.153058	-0.21448
GS1294	4392	GCCCAAAGGCAGGCGGGGGATCAGCTTGCACAG	8981	AQRQAGDQLAQ	13570	RQAGDQL	0.152865	-0.13857
SyS2254	4393	GCCCAAGTCGGCCAACACCTCACCCACGCACAG	8982	AQVGQHLTHAQ	13571	VGQHLTH	0.152852	-0.13677

도면33ea

SyS2255	4394	GCCCAACTCAGCGCCGCCAGCGGCATCGCACAG	8983	AQLSAASGIAQ	13572	LSAASGI	0.152829	-0.16497
SyS2256	4395	GCCCAAAGCAGCCACAACGGCTTCATCGCACAG	8984	AQSSHNGFIAQ	13573	SSHNGFI	0.152739	-0.14425
GS1296	4396	GCCCAAAACGCCACCAGACAATACAGCGCACAG	8985	AQNATRQYSAQ	13574	NATRQYS	0.152256	-0.06882
GS1297	4397	GCCCAAGTCAGCAGACAAAGCCTCGGCGCACAG	8986	AQVSRQSLGAQ	13575	VSRQSLG	0.152253	-0.15676
SyS2259	4398	GCCCAAGACGTCGTCAAACCCCACGGCGCACAG	8987	AQDVVKPHGAQ	13576	DVVKPHG	0.152101	-0.10404
SyS2260	4399	GCCCAAGGGATTGGGGGTATTAGTTCTGCACAG	8988	AQGIGGISSAQ	13577	GIGGISS	0.152077	-0.00277
SyS2262	4400	GCCCAAACTAATAATAGTCTGCGTGAGGCACAG	8989	AQTNNSLREAQ	13578	TNNSLRE	0.151972	-0.02172
SyS2263	4401	GCCCAAACGCGTACGGCTTCGGCGCTGGCACAG	8990	AQTRTASALAQ	13579	TRTASAL	0.15196	-0.08332
SyS2264	4402	GCCCAAACTACGACGGCTCCGAGTCCGGCACAG	8991	AQTTTAPSPAQ	13580	TTTAPSP	0.151942	0.097476
SyS2265	4403	GCCCAAAACGCCAGCATGAGCAGCATCGCACAG	8992	AQNASMSSIAQ	13581	NASMSSI	0.151936	0.127665
SyS2266	4404	GCCCAAACCCAACCCACAGAGGCCTCGCACAG	8993	AQTQPHRGLAQ	13582	TQPHRGL	0.151921	-0.20466
SyS2267	4405	GCCCAAAGACTCGACCACCACAGCAGCGCACAG	8994	AQRLDHHSSAQ	13583	RLDHHSS	0.151906	-0.2305
SyS2268	4406	GCCCAAGAAAACACCACCAGAATCGCCGCACAG	8995	AQENTTRIAAQ	13584	ENTTRIA	0.151859	0.202781
GS1299	4407	GCCCAAAGCCTCAGAGGCAACGAAGCCGCACAG	8996	AQSLRGNEAAQ	13585	SLRGNEA	0.151754	-0.16718
GS1300	4408	GCCCAACCTAATGTTCCTTCGCATTCTGCACAG	8997	AQPNVPSHSAQ	13586	PNVPSHS	0.15171	-0.18278
SyS2269	4409	GCCCAAGGGATGCCTTTGATGAAGATGGCACAG	8998	AQGMPLMKMAQ	13587	GMPLMKM	0.151503	-0.2083
SyS2270	4410	GCCCAACAGAAGACTGAGCGGACGGTTGCACAG	8999	AQQKTERTVAQ	13588	QKTERTV	0.15144	-0.03374
SyS2271	4411	GCCCAAAACCACACCAACCACAGCAGCGCACAG	9000	AQNHTNHSSAQ	13589	NHTNHSS	0.151411	-0.16829
GS1302	4412	GCCCAAGGGCTGGGGAATAGGTCTGCTGCACAG	9001	AQGLGNRSAAQ	13590	GLGNRSA	0.15133	-0.17958
GS1303	4413	GCCCAAGACCTCGACAAAAGAGGCCTCGCACAG	9002	AQDLDKRGLAQ	13591	DLDKRGL	0.151278	-0.07669
SyS2273	4414	GCCCAACTCACCAACGCCCAACCCGACGCACAG	9003	AQLTNAQPDAQ	13592	LTNAQPD	0.151194	-0.21571
SyS2275	4415	GCCCAAACGAAGCCTGATTATCTGGTTGCACAG	9004	AQTKPDYLVAQ	13593	TKPDYLV	0.151065	-0.15859
SyS2276	4416	GCCCAAAAGTTGCAGTTGCATGAGGTTGCACAG	9005	AQKLQLHEVAQ	13594	KLQLHEV	0.150883	-0.08921
SyS2277	4417	GCCCAAACGTCTGTGACGATTTCGAGTGCACAG	9006	AQTSVTISSAQ	13595	TSVTISS	0.150853	-0.08154
SyS2278	4418	GCCCAAAATTCGAGTAATAGGGCTGAGGCACAG	9007	AQNSSNRAEAQ	13596	NSSNRAE	0.150815	-0.09555
GS1304	4419	GCCCAACTCGAACACGGCACCAGAATCGCACAG	9008	AQLEHGTRIAQ	13597	LEHGTRI	0.150746	-0.07792
GS1305	4420	GCCCAAACCCTCCAAATGAGAGAACACGCACAG	9009	AQTLQMREHAQ	13598	TLQMREH	0.150701	-0.13475
GS1306	4421	GCCCAAGGCAGCCCCACCGCCCAAACCGCACAG	9010	AQGSPTAQTAQ	13599	GSPTAQT	0.150489	-0.15945
SyS2280	4422	GCCCAAAATAAGGGGCAGACGCTTACTGCACAG	9011	AQNKGQTLTAQ	13600	NKGQTLT	0.150205	-0.20588
SyS2281	4423	GCCCAATCGGTGGTCATCGGGATATGGCACAG	9012	AQSVGHRDMAQ	13601	SVGHRDM	0.150092	-0.15617
GS1308	4424	GCCCAAAGAGACAAAAGCAGCATGCACGCACAG	9013	AQRDKSSMHAQ	13602	RDKSSMH	0.149802	-0.13189
SyS2283	4425	GCCCAAGTCAGCGTCATCAACAACACCGCACAG	9014	AQVSVINNTAQ	13603	VSVINNT	0.14972	-0.11447

도면33eb

SyS2284	4426	GCCCAACTTCCTAATTCTGCTTTTAGTGCACAG	9015	AQLPNSAFSAQ	13604	LPNSAFS	0.149676	-0.02892
GS1309	4427	GCCCAACGTACGGTGTCTACGGATGATGCACAG	9016	AQRTVSTDDAQ	13605	RTVSTDD	0.149671	-0.18368
GS1310	4428	GCCCAACTCATGGACAGAATGGCCAGCGCACAG	9017	AQLMDRMASAQ	13606	LMDRMAS	0.149549	-0.14121
SyS2285	4429	GCCCAACCGAGTGGGTTTAATACTTTGGCACAG	9018	AQPSGFNTLAQ	13607	PSGFNTL	0.149506	-0.21078
SyS2286	4430	GCCCAAAAAAGCGCCCAACCCATGAGCGCACAG	9019	AQKSAQPMSAQ	13608	KSAQPMS	0.149458	-0.11374
SyS2287	4431	GCCCAAACCGGCCTCAGCGTCCAAAAAGCACAG	9020	AQTGLSVQKAQ	13609	TGLSVQK	0.149458	-0.23618
SyS2288	4432	GCCCAACACGGCTTCCCCCGCCGGCCCCGCACAG	9021	AQHGFPAGPAQ	13610	HGFPAGP	0.149413	-0.19981
SyS2289	4433	GCCCAAAGCTACGAAGCCGTCGGCATCGCACAG	9022	AQSYEAVGIAQ	13611	SYEAVGI	0.149397	-0.13594
SyS2290	4434	GCCCAAACCGCCAAAGGCGTCCTCAGCGCACAG	9023	AQTAKGVLSAQ	13612	TAKGVLS	0.149081	-0.22649
SS153	4435	GCCCAAGGCGCCAGCACCCACAACGCCGCACAG	9024	AQGASTHNAAQ	13613	GASTHNA	0.149034	-0.40725
SyS2291	4436	GCCCAAATCATCAAAGAAATCCCCGCCGCACAG	9025	AQIIKEIPAAQ	13614	IIKEIPA	0.149013	-0.16708
GS1313	4437	GCCCAAAACCAGTCATCAGCAACGGCGCACAG	9026	AQNHVISNGAQ	13615	NHVISNG	0.148941	-0.12903
SyS2293	4438	GCCCAATACACCAACATGGCCGGCGTCGCACAG	9027	AQYTNMAGVAQ	13616	YTNMAGV	0.148928	-0.14405
SyS2294	4439	GCCCAATTCAACAGAATCGGCGCCGGCGCACAG	9028	AQFNRIGAGAQ	13617	FNRIGAG	0.14886	-0.12101
SyS2295	4440	GCCCAATGGAGCACCATGATGAAAAGCGCACAG	9029	AQWSTMMKSAQ	13618	WSTMMKS	0.148757	-0.21679
SyS2296	4441	GCCCAAACCGCCCCCGCCAACCACGTCGCACAG	9030	AQTAPANHVAQ	13619	TAPANHV	0.148692	0.040594
SyS2298	4442	GCCCAAATGCATGGGGGTTCGGAGCTGGCACAG	9031	AQMHGGSELAQ	13620	MHGGSEL	0.148583	-0.18737
GS1314	4443	GCCCAAATGAGTAGGATGGGGGTGGCGGCACAG	9032	AQMSRMGVAAQ	13621	MSRMGVA	0.148576	-0.1774
GS1315	4444	GCCCAAACTCGGATTAGTGAGGTTCTTGCACAG	9033	AQTRISEVLAQ	13622	TRISEVL	0.148534	-0.1313
SyS2299	4445	GCCCAAAGCGGCCCCGGCCTCAGAACCGCACAG	9034	AQSGPGLRTAQ	13623	SGPGLRT	0.148397	-0.13798
GS1316	4446	GCCCAAGATAAGCGTCATCATGCGGAGGCACAG	9035	AQDKRHHAEAQ	13624	DKRHHAE	0.148387	-0.10709
SyS2300	4447	GCCCAATTGACGCAGAATGATCGGCCTGCACAG	9036	AQLTQNDRPAQ	13625	LTQNDRP	0.148385	-0.19353
GS1317	4448	GCCCAAAGCGTCACCACCAGCCACGTCGCACAG	9037	AQSVTTSHVAQ	13626	SVTTSHV	0.148348	-0.17919
SyS2301	4449	GCCCAAATGCTCACCGGCGGCACCAACGCACAG	9038	AQMLTGGTNAQ	13627	MLTGGTN	0.148306	-0.17259
SyS2302	4450	GCCCAAGACAACGTGCCAACGCCGGCGCACAG	9039	AQDNVANAGAQ	13628	DNVANAG	0.148252	-0.125
SyS2303	4451	GCCCAAATGACCACCAACAGCATCGCCGCACAG	9040	AQMTTNSIAAQ	13629	MTTNSIA	0.148226	-0.22042
SyS2304	4452	GCCCAAATGCGTACGCAGTCTCTGTCGGCACAG	9041	AQMRTQSLSAQ	13630	MRTQSLS	0.14815	0.030244
GS1318	4453	GCCCAATACGGCAGCTTCACCGGCCAAGCACAG	9042	AQYGSFTGQAQ	13631	YGSFTGQ	0.148082	-0.14334
GS1320	4454	GCCCAAGGCCCCATGCTCCTCAAAGCCGCACAG	9043	AQGPMLLKAAQ	13632	GPMLLKA	0.148051	-0.16753
SyS2305	4455	GCCCAAATGACCCAAAAAGCCCCCGTCGCACAG	9044	AQMTQKAPVAQ	13633	MTQKAPV	0.147926	-0.03714
GS1321	4456	GCCCAAAGCGCCAACGCCACCAAACTCGCACAG	9045	AQSANATKLAQ	13634	SANATKL	0.147918	-0.10232
SyS2306	4457	GCCCAATTCAACGGCAGCCTCGCCATGGCACAG	9046	AQFNGSLAMAQ	13635	FNGSLAM	0.147866	-0.14302

도면33ec

SyS2308	4458	GCCCAAATTGTTAATGCTAAGCTTACTGCACAG	9047	AQIVNAKLTAQ	13636	IVNAKLT	0.147749	-0.20103
SyS2310	4459	GCCCAAATGTTCAGCGGCCTCCAAGCCGCACAG	9048	AQMFSGLQAAQ	13637	MFSGLQA	0.147689	-0.23296
GS1322	4460	GCCCAAGTGGATTATCGGGTGAATGGTGCACAG	9049	AQVDYRVNGAQ	13638	VDYRVNG	0.147677	-0.16241
SyS2311	4461	GCCCAACTGGCTTCGGCTGGTAATGGTGCACAG	9050	AQLASAGNGAQ	13639	LASAGNG	0.147593	-0.07841
GS1323	4462	GCCCAACGTGATCTTCATTCTAAGGATGCACAG	9051	AQRDLHSKDAQ	13640	RDLHSKD	0.147554	-0.17958
SyS2313	4463	GCCCAAAGCCACGTCAGCAGAACCGCCGCACAG	9052	AQSHVSRTAAQ	13641	SHVSRTA	0.147511	0.008708
SyS2314	4464	GCCCAAACCCCCGTCCAAAGCCTCAGCGCACAG	9053	AQTPVQSLSAQ	13642	TPVQSLS	0.147458	-0.1444
SyS2315	4465	GCCCAATACCTCAACGGCAGGCGAACTCGCACAG	9054	AQYLNGSELAQ	13643	YLNGSEL	0.147331	-0.1489
SyS2316	4466	GCCCAACCTGCTTTGAAGACTCATGAGGCACAG	9055	AQPALKTHEAQ	13644	PALKTHE	0.14732	0.228732
GS1324	4467	GCCCAAAATAAGTCTCTGACTTCTGATGCACAG	9056	AQNKSLTSDAQ	13645	NKSLTSD	0.147304	-0.16432
GS1325	4468	GCCCAATATAATGCTACTAAGTCGAGTGCACAG	9057	AQYNATKSSAQ	13646	YNATKSS	0.147262	-0.13189
GS1326	4469	GCCCAAATGCGGGATAAGAGTCATGATGCACAG	9058	AQMRDKSHDAQ	13647	MRDKSHD	0.147262	-0.13189
SyS2318	4470	GCCCAACACAGAACCGAAGGCCAAAACGCACAG	9059	AQHRTEGQNAQ	13648	HRTEGQN	0.147163	-0.041
SyS2319	4471	GCCCAACTCCACAAACCCGACGAATTCGCACAG	9060	AQLHKPDEFAQ	13649	LHKPDEF	0.147149	-0.14672
SyS2320	4472	GCCCAAATTGCTGCGAGGCCTCCTTCGGCACAG	9061	AQIAARPPSAQ	13650	IAARPPS	0.14708	-0.16223
SyS2321	4473	GCCCAAACGCCTACGCATTATTCTCATGCACAG	9062	AQTPTHYSHAQ	13651	TPTHYSH	0.14708	-0.19496
GP183	4474	GCCCAATCGACTTTTCGGCTGATAGGGCACAG	9063	AQSTFSADRAQ	13652	STFSADR	0.147035	-0.07197
SyP68	4475	GCCCAACAGTCGGTGCAGGTGACGGCTGCACAG	9064	AQQSVQVTAAQ	13653	QSVQVTA	0.146995	-0.04053
SyS2322	4476	GCCCAACTCGACAGCAGCAGAAACAGAGCACAG	9065	AQLDSSRNRAQ	13654	LDSSRNR	0.146928	-0.18527
GS1327	4477	GCCCAAAGACAACCCCAAAGCACCGTCGCACAG	9066	AQRQPQSTVAQ	13655	RQPQSTV	0.146727	-0.01889
SyS2323	4478	GCCCAAAGAGTCGACGACGGCGTCAGAGCACAG	9067	AQRVDDGVRAQ	13656	RVDDGVR	0.146717	-0.07779
GS1328	4479	GCCCAAAAAATCACCAACACCTACAGCGCACAG	9068	AQKITNTYSAQ	13657	KITNTYS	0.146679	-0.1481
GS1329	4480	GCCCAACCTGGGAAGGCGACTCCTCTGCACAG	9069	AQPGKATPPAQ	13658	PGKATPP	0.146646	-0.15317
GS1330	4481	GCCCAATTCAGCACCCACACCCCCCCGCACAG	9070	AQFSTHTPPAQ	13659	FSTHTPP	0.146343	-0.13761
SyS2324	4482	GCCCAACTCGCCCCCAACATGAGACTCGCACAG	9071	AQLAPNMRLAQ	13660	LAPNMRL	0.146185	-0.21194
SS154	4483	GCCCAAAACCTCCCCAGAACCAACGTCGCACAG	9072	AQNLPRTNVAQ	13661	NLPRTNV	0.146169	-0.35701
GS1331	4484	GCCCAAGAGACGAGTAATGTGAATCGTGCACAG	9073	AQETSNVNRAQ	13662	ETSNVNR	0.14611	-0.18188
SyS2325	4485	GCCCAAGGCAGCACCGACCACAGACTCGCACAG	9074	AQGSTDHRLAQ	13663	GSTDHRL	0.145928	-0.13071
SS155	4486	GCCCAAGTCAACACCGCCATGCCCGCCGCACAG	9075	AQVNTAMPAAQ	13664	VNTAMPA	0.145614	-0.40725
GS1335	4487	GCCCAAATGGTTGCTCGGGATCAGAATGCACAG	9076	AQMVARDQNAQ	13665	MVARDQN	0.145535	-0.13881
SyS2328	4488	GCCCAAAAAAACAACCCCGTCCTCCACGCACAG	9077	AQKNNPVLHAQ	13666	KNNPVLH	0.145436	-0.18984
GS1337	4489	GCCCAAGATTCGACGACGGTTAGGCTTGCACAG	9078	AQDSTTVRLAQ	13667	DSTTVRL	0.145378	-0.10767

도면33ed

SyS2329	4490	GCCCAAAAACTCAACGTCATGAACGACGCACAG	9079	AQKLNVMNDAQ	13668	KLNVMND	0.145256	-0.15738
GS1339	4491	GCCCAAAGCCTCAGAGACAAAAACGCCGCACAG	9080	AQSLRDKNAAQ	13669	SLRDKNA	0.145231	-0.18727
SyS2330	4492	GCCCAAGGTGTTGGTAATAGTCTGAGTGCACAG	9081	AQGVGNSLSAQ	13670	GVGNSLS	0.145202	-0.01482
SyS2332	4493	GCCCAATTCAGCAAAACCAACTTCAACGCACAG	9082	AQFSKTNFNAQ	13671	FSKTNFN	0.145119	-0.22557
GS1342	4494	GCCCAAGCTAATCGGCCTTCGCTGCCTGCACAG	9083	AQANRPSLPAQ	13672	ANRPSLP	0.144885	-0.0877
GS1343	4495	GCCCAAGACAGCCAAACCAACAGAGTCGCACAG	9084	AQDSQTNRVAQ	13673	DSQTNRV	0.144816	-0.09307
SyS2333	4496	GCCCAAATTTCGACGTCGTCTCCGGTTGCACAG	9085	AQISTSSPVAQ	13674	ISTSSPV	0.144754	-0.12222
SyS2334	4497	GCCCAAATCCTCAAAATCACCGAAGGCGCACAG	9086	AQILKITEGAQ	13675	ILKITEG	0.144609	-0.14918
GS1344	4498	GCCCAATTTCGTCCGGCGTCTGAGATTGCACAG	9087	AQFRPASEIAQ	13676	FRPASEI	0.144534	-0.13935
SyS2335	4499	GCCCAAAAAAAAGACAGCGAACCCCTCGCACAG	9088	AQKKDSEPLAQ	13677	KKDSEPL	0.144431	0.01409
SyS2336	4500	GCCCAAAACGCCAGACCCCTCACCGCCGCACAG	9089	AQNARPLTAAQ	13678	NARPLTA	0.144383	-0.05797
SyS2338	4501	GCCCAAAAGGCGGCTAGGATGGAGACTGCACAG	9090	AQKAARMETAQ	13679	KAARMET	0.144286	-0.10236
SyS2340	4502	GCCCAACACGCCAACGTCAGCAGCAGAGCACAG	9091	AQHANVSSRAQ	13680	HANVSSR	0.144111	-0.14672
SyS2341	4503	GCCCAAACCAGCACCACCCAAACCAGCGCACAG	9092	AQTSTTQTSAQ	13681	TSTTQTS	0.144008	-0.21448
SyS2342	4504	GCCCAAAGTGCGTTGTCGCTGAGTCCGGCACAG	9093	AQSALSLSPAQ	13682	SALSLSP	0.143867	-0.11439
SyS2343	4505	GCCCAAGCTAATGTTCAGATTCAGTCGGCACAG	9094	AQANVQIQSAQ	13683	ANVQIQS	0.143839	-0.19739
GS1346	4506	GCCCAAACCCCCAGCAGCAACAGCCTCGCACAG	9095	AQTPSSNSLAQ	13684	TPSSNSL	0.143816	-0.14429
SyS2345	4507	GCCCAAACGATGACGGGGCCTGGTCATGCACAG	9096	AQTMTGPGHAQ	13685	TMTGPGH	0.143627	-0.14425
SyS2346	4508	GCCCAAATTACTGCTCAGATTACGAATGCACAG	9097	AQITAQITNAQ	13686	ITAQITN	0.143574	-0.22064
SyS2348	4509	GCCCAACTTCCTAATCCTTCGTCTCGGGCACAG	9098	AQLPNPSSRAQ	13687	LPNPSSR	0.143468	-0.19723
SyS2349	4510	GCCCAAAAGATGGGGACTATGACGCCTGCACAG	9099	AQKMGTMTPAQ	13688	KMGTMTP	0.143411	-0.08828
GS1347	4511	GCCCAATACACCAACGGCAGAATCAACGCACAG	9100	AQYTNGRINAQ	13689	YTNGRIN	0.143337	-0.13284
SyS2350	4512	GCCCAAGATGGGAGTAATGTGGTGAAGGCACAG	9101	AQDGSNVVKAQ	13690	DGSNVVK	0.143302	-0.21202
GS1348	4513	GCCCAACTCCCCCTCAGCATCCCCGCCGCACAG	9102	AQLPLSIPAAQ	13691	LPLSIPA	0.143269	-0.17481
GS1349	4514	GCCCAAGAAAGCAGACTCAGCAGCAGCGCACAG	9103	AQESRLSSSAQ	13692	ESRLSSS	0.143208	-0.16814
SyS2351	4515	GCCCAAATGAGTCCTTCTCGGGGTAATGCACAG	9104	AQMSPSRGNAQ	13693	MSPSRGN	0.143199	-0.13677
SyS2352	4516	GCCCAAAGCGTCCACGCCGCCAAACAAGCACAG	9105	AQSVHAAKQAQ	13694	SVHAAKQ	0.143145	-0.14647
SyS2353	4517	GCCCAAGCGTTTTCTAGTGGTACTTCGGCACAG	9106	AQAFSSGTSAQ	13695	AFSSGTS	0.143125	0.020339
GS1350	4518	GCCCAAACTGGGTGGTCTCCTTCGCCTGCACAG	9107	AQTGWSPSPAQ	13696	TGWSPSP	0.143107	-0.15478
SyS2354	4519	GCCCAAGCGTCGCATAGTGCGAGTGGTGCACAG	9108	AQASHSASGAQ	13697	ASHSASG	0.143021	-0.23012
GS1353	4520	GCCCAAGTCACCCCCAGAAGCCCCCTCGCACAG	9109	AQVTPRSPLAQ	13698	VTPRSPL	0.142958	-0.12807
GS1354	4521	GCCCAAACTGAGCGTGATACTAGTCGTGCACAG	9110	AQTERDTSRAQ	13699	TERDTSR	0.142958	-0.1159

도면33ee

SyS2355	4522	GCCCAATACACCCTCACCGGCACCACCGCACAG	9111	AQYTLTGTTAQ	13700	YTLTGTT	0.142869	-0.18527
SyS2356	4523	GCCCAAGACCTCAGAGTCAGCAGAGACGCACAG	9112	AQDLRVSRDAQ	13701	DLRVSRD	0.142848	-0.13071
SyS2357	4524	GCCCAACTTATTGCGTCGCATACGGCGGCACAG	9113	AQLIASHTAAQ	13702	LIASHTA	0.142848	-0.13071
SyS2358	4525	GCCCAACAGCGTTCTGAGAATTCGCATGCACAG	9114	AQQRSENSHAQ	13703	QRSENSH	0.142835	-0.08424
GS1355	4526	GCCCAAAGTGCGAGTAATCAGACTTATGCACAG	9115	AQSASNQTYAQ	13704	SASNQTY	0.142747	-0.17005
SyS2360	4527	GCCCAATTGGAGAAGGTGCTGCAGCCGGCACAG	9116	AQLEKVLQPAQ	13705	LEKVLQP	0.142579	-0.23296
SyS2361	4528	GCCCAAAATAGTGGTCCGTTGGTGATTGCACAG	9117	AQNSGPLVIAQ	13706	NSGPLVI	0.142353	-0.17829
SyS2362	4529	GCCCAAGGCACCATCCACAGCCCCGTCGCACAG	9118	AQGTIHSPVAQ	13707	GTIHSPV	0.142285	-0.23376
SyS2363	4530	GCCCAAAACAAAAACGGCGAAGTCCTCGCACAG	9119	AQNKNGEVLAQ	13708	NKNGEVL	0.142243	-0.13686
SyS2364	4531	GCCCAACCCATGAACGAAAGAGAAAGAGCACAG	9120	AQPMNERERAQ	13709	PMNERER	0.1422	-0.1986
SyS2366	4532	GCCCAAGGCAGCAACAACCTCCACCCCGCACAG	9121	AQGSNNLHPAQ	13710	GSNNLHP	0.141901	-0.14768
SyS2367	4533	GCCCAAATGAGCCTCCACGCCAAAAGCGCACAG	9122	AQMSLHAKSAQ	13711	MSLHAKS	0.141901	-0.18284
SyS2368	4534	GCCCAACAAGAAAAAGCCCTCGCCAGAGCACAG	9123	AQQEKALARAQ	13712	QEKALAR	0.141841	-0.08342
SP45	4535	GCCCAAGATCGTAGTACGCATGCTAAGGCACAG	9124	AQDRSTHAKAQ	13713	DRSTHAK	0.141804	-0.05361
SyS2369	4536	GCCCAAATTGTGAGGGGTGATACGTCTGCACAG	9125	AQIVRGDTSAQ	13714	IVRGDTS	0.141804	-0.2305
GS1359	4537	GCCCAAAGCAGCGGCGGCATGAACGAAGCACAG	9126	AQSSGGMNEAQ	13715	SSGGMNE	0.141777	-0.17386
SyS2370	4538	GCCCAAAAGTTGCATGCTGTTGAGGCTGCACAG	9127	AQKLHAVEAAQ	13716	KLHAVEA	0.141757	-0.19254
SyS2371	4539	GCCCAAATGTTCGCCGAAGGCACCGTCGCACAG	9128	AQMFAEGTVAQ	13717	MFAEGTV	0.14166	-0.18984
GS1360	4540	GCCCAAACCCTCGGCAGAGTCCCCCAAGCACAG	9129	AQTLGRVPQAQ	13718	TLGRVPQ	0.141609	-0.12235
GS1361	4541	GCCCAACTCCTCGGCAACAAAGACAAAGCACAG	9130	AQLLGNKDKAQ	13719	LLGNKDK	0.141569	-0.13971
GS1362	4542	GCCCAAAGAGTCAACACCAGCACCGACGCACAG	9131	AQRVNTSTDAQ	13720	RVNTSTD	0.141559	0.158617
SyS2372	4543	GCCCAACCCCAAGGCGTCAGCCCCGCCGCACAG	9132	AQPQGVSPAAQ	13721	PQGVSPA	0.14153	-0.18121
SyS2373	4544	GCCCAAGGCGCCGTCCTCAGCAAAGCCGCACAG	9133	AQGAVLSKAAQ	13722	GAVLSKA	0.14147	-0.14056
SyS2374	4545	GCCCAACTCGGCCACGCCGCCACCAGCGCACAG	9134	AQLGHAATSAQ	13723	LGHAATS	0.141412	-0.21194
SyS2375	4546	GCCCAAAGCGGCTTCAGCAGCACCGCCGCACAG	9135	AQSGFSSTAAQ	13724	SGFSSTA	0.141288	-0.12331
SyS2376	4547	GCCCAATTGGTGAATCAGCCTCAGTCGGCACAG	9136	AQLVNQPQSAQ	13725	LVNQPQS	0.141288	-0.12331
GS1366	4548	GCCCAAGGTCGTGCGGAGGTGGGGATTGCACAG	9137	AQGRAEVGIAQ	13726	GRAEVGI	0.141255	-0.16932
GS1369	4549	GCCCAAGTCCTCGCCACCAAAAACAGCGCACAG	9138	AQVLATKNSAQ	13727	VLATKNS	0.140992	-0.15764
SyS2378	4550	GCCCAACAGGCTCATGCGTTTGCGGATGCACAG	9139	AQQAHAFADAQ	13728	QAHAFAD	0.140963	-0.20588
SyS2379	4551	GCCCAAAACCTCGACACCGTCAAAACCGCACAG	9140	AQNLDTVKTAQ	13729	NLDTVKT	0.140932	-0.21941
SyS2380	4552	GCCCAACGTCCGCAGACTCTGCCGAATGCACAG	9141	AQRPQTLPNAQ	13730	RPQTLPN	0.140903	-0.17013
SyS2381	4553	GCCCAAAACCCCAGAAACAGCCCCACCGCACAG	9142	AQNPRNSPTAQ	13731	NPRNSPT	0.140813	-0.1392

도면33ef

SyS2382	4554	GCCCAACATGTGCAGATGGATGCGGATGCACAG	9143	AQHVQMDADAQ	13732	HVQMDAD	0.140761	-0.1071
GS1371	4555	GCCCAAACTTATCGGACTGAGCCGGTGGCACAG	9144	AQTYRTEPVAQ	13733	TYRTEPV	0.14075	-0.18099
SyS2383	4556	GCCCAACCCGGCCTCGTCAACATGAGCGCACAG	9145	AQPGLVNMSAQ	13734	PGLVNMS	0.140733	-0.21557
SyS2384	4557	GCCCAAAGCCTCAGCCAAGGCCCCGCCGCACAG	9146	AQSLSQGPAAQ	13735	SLSQGPA	0.14057	-0.10768
SyS2385	4558	GCCCAACTGGGTGCTTCTGGTTATACGGCACAG	9147	AQLGASGYTAQ	13736	LGASGYT	0.14047	-0.22527
SyS2386	4559	GCCCAAAGCGCCGTCACCACCATGCCCGCACAG	9148	AQSAVTTMPAQ	13737	SAVTTMP	0.14044	-0.23419
GP186	4560	GCCCAAAAGGTGAATGCTGAGCTTCTTGCACAG	9149	AQKVNAELLAQ	13738	KVNAELL	0.140309	-0.07287
SyS2387	4561	GCCCAACCGTTTACGCCTAAGTTGAGTGCACAG	9150	AQPFTPKLSAQ	13739	PFTPKLS	0.140302	-0.20951
GS1372	4562	GCCCAAATGAGAAGCACCAACGCCAGCGCACAG	9151	AQMRSTNASAQ	13740	MRSTNAS	0.140251	-0.14868
SyS2388	4563	GCCCAAGTGATGTATGCGCGTGGGGATGCACAG	9152	AQVMYARGDAQ	13741	VMYARGD	0.140081	-0.11698
GS1373	4564	GCCCAACGGGTTGGTAGTACGATGCAGGCACAG	9153	AQRVGSTMQAQ	13742	RVGSTMQ	0.140075	-0.16146
SP47	4565	GCCCAATTGACGGTGGCGGTTGAGACTGCACAG	9154	AQLTVAVETAQ	13743	LTVAVET	0.139972	-0.05361
SyS2390	4566	GCCCAATGGACTAATTCTGGTAGTTCTGCACAG	9155	AQWTNSGSSAQ	13744	WTNSGSS	0.139811	-0.18769
GS1374	4567	GCCCAACACGCCATGAGAGGCACCGGCGCACAG	9156	AQHAMRGTGAQ	13745	HAMRGTG	0.139811	-0.16842
SyS2391	4568	GCCCAACACCAAGACGTCAGAGGCAGCGCACAG	9157	AQHQDVRGSAQ	13746	HQDVRGS	0.139527	-0.18861
GS1375	4569	GCCCAAAGCTTCCAAAGAGAAATCCCCGCACAG	9158	AQSFQREIPAQ	13747	SFQREIP	0.13934	-0.09891
GS1377	4570	GCCCAACTCCAAAGAGCCGCCCTCAACGCACAG	9159	AQLQRAALNAQ	13748	LQRAALN	0.1391	-0.16528
SyS2392	4571	GCCCAAAGCGACGCCACCATCAGACCCGCACAG	9160	AQSDATIRPAQ	13749	SDATIRP	0.139008	0.01549
GS1378	4572	GCCCAACAAATGAGCACCGGCAGAGTCGCACAG	9161	AQQMSTGRVAQ	13750	QMSTGRV	0.13898	-0.10908
GS1379	4573	GCCCAAAGAAGCACCCAAGCCATCCCCGCACAG	9162	AQRSTQAIPAQ	13751	RSTQAIP	0.138749	-0.15766
SyS2395	4574	GCCCAACAAATCAGAGACGCCAACGCCGCACAG	9163	AQQIRDANAAQ	13752	QIRDANA	0.138593	-0.14056
GS1382	4575	GCCCAACTCCACACCAGCAACGCCTACGCACAG	9164	AQLHTSNAYAQ	13753	LHTSNAY	0.138339	-0.18368
SS160	4576	GCCCAATCTTCTGGGCTGGGGACGCCTGCACAG	9165	AQSSGLGTPAQ	13754	SSGLGTP	0.138099	-0.36216
SyS2396	4577	GCCCAAGACCACAAACCCGTCAGAGACGCACAG	9166	AQDHKPVRDAQ	13755	DHKPVRD	0.138062	-0.16708
GS1383	4578	GCCCAAATGAAACTCGTCAGCGTCGGCGCACAG	9167	AQMKLVSVGAQ	13756	MKLVSVG	0.138012	-0.12152
SyS2397	4579	GCCCAAGGTGAGCAGAGTCTTAAGGCGGCACAG	9168	AQGEQSLKAAQ	13757	GEQSLKA	0.137822	-0.16102
GS1385	4580	GCCCAAATGACCAGCGGCACCAACGGCGCACAG	9169	AQMTSGTNGAQ	13758	MTSGTNG	0.137741	-0.16304
SyS2398	4581	GCCCAACATGCGGCTAAGGGTGTTGTTGCACAG	9170	AQHAAKGVVAQ	13759	HAAKGVV	0.137688	-0.1392
SyS2401	4582	GCCCAAAGCAGCAGACAAAACGAACCCGCACAG	9171	AQSSRQNEPAQ	13760	SSRQNEP	0.137659	-0.23012
SyS2402	4583	GCCCAAGCCCTCATCAACAGACCCAACGCACAG	9172	AQALINRPNAQ	13761	ALINRPN	0.137501	-0.08183
SyS2403	4584	GCCCAATTGAGGTCTTCTATGGCGTCTGCACAG	9173	AQLRSSMASAQ	13762	LRSSMAS	0.137488	-0.17072
SyS2404	4585	GCCCAAAATAATGAGTATTCGAAGCTGGCACAG	9174	AQNNEYSKLAQ	13763	NNEYSKL	0.137304	-0.13033

도면33eg

GS1386	4586	GCCCAAACTGGGCGTTTGAATGGGGAGGCACAG	9175	AQTGRLNGEAQ	13764	TGRLNGE	0.137105	-0.15001
GS1387	4587	GCCCAAACCAACAGCCAGCCGTCAGAGCACAG	9176	AQTNSHAVRAQ	13765	TNSHAVR	0.137064	-0.10066
SyS2406	4588	GCCCAAATCGTCACCAACCACAGCCACGCACAG	9177	AQIVTNHSHAQ	13766	IVTNHSH	0.136985	0.018624
GS1388	4589	GCCCAAGCCCTCACCAGAGACATCACCGCACAG	9178	AQALTRDITAQ	13767	ALTRDIT	0.136966	-0.10929
SyS2407	4590	GCCCAAGGCATCGCCAACCAAGGCGTCGCACAG	9179	AQGIANQGVAQ	13768	GIANQGV	0.136871	-0.02727
GP188	4591	GCCCAAAATACTGTGCGTTCTCAGCAGGCACAG	9180	AQNTVRSQQAQ	13769	NTVRSQQ	0.136631	-0.07079
SyS2409	4592	GCCCAAATGGAGAATTCGAATAAGGCTGCACAG	9181	AQMENSNKAAQ	13770	MENSNKA	0.136602	-0.21078
SyS2410	4593	GCCCAAGGTACGGTTAGGGTGCAGGCTGCACAG	9182	AQGTVRVQAAQ	13771	GTVRVQA	0.136485	-0.00948
SyS2411	4594	GCCCAAACCACCAGCCACCTCATCGACGCACAG	9183	AQTTSHLIDAQ	13772	TTSHLID	0.136485	-0.16223
GS1389	4595	GCCCAAGGTACGCAGGCGCATCAGGGTGCACAG	9184	AQGTQAHQGAQ	13773	GTQAHQG	0.13647	-0.00419
GS1390	4596	GCCCAAAAAATGAGCGCCAGCAGCGTCGCACAG	9185	AQKMSASSVAQ	13774	KMSASSV	0.136227	-0.15586
SyS2414	4597	GCCCAAAGCCTCAAAGTCAACCCCGGCGCACAG	9186	AQSLKVNPGAQ	13775	SLKVNPG	0.136211	-0.22164
GP189	4598	GCCCAATCGAGCTGGGACGTCTACTCTTGCACAG	9187	AQSTGTSTLAQ	13776	STGTSTL	0.136041	0.207438
SyS2415	4599	GCCCAAGTTTTGACGAATCGTGAGCAGGCACAG	9188	AQVLTNREQAQ	13777	VLTNREQ	0.135897	-0.05665
SyS2416	4600	GCCCAACTCGACGTCAGCAGAACCCTCGCACAG	9189	AQLDVSRTLAQ	13778	LDVSRTL	0.135826	-0.18769
SyS2417	4601	GCCCAATCGTTTGGGACTGAGAGTCGTGCACAG	9190	AQSFGTESRAQ	13779	SFGTESR	0.135821	0.273431
SyS2418	4602	GCCCAACAGCTTGCGAAGGGGAATTATGCACAG	9191	AQQLAKGNYAQ	13780	QLAKGNY	0.135676	-0.22557
SyS2419	4603	GCCCAAGCCAAAAACGACCCCAGAGCCGCACAG	9192	AQAKNDPRAAQ	13781	AKNDPRA	0.135675	0.015165
SyS2420	4604	GCCCAACTCACCCAAGTCGGCGGGCACCGCACAG	9193	AQLTQVGGTAQ	13782	LTQVGGT	0.135637	-0.18163
SyS2421	4605	GCCCAAAAGCAGAATACTACTTCTCTGGCACAG	9194	AQKQNTTSLAQ	13783	KQNTTSL	0.135601	-0.23133
SyS2423	4606	GCCCAACTTTCGACTAGGGCTGAGGATGCACAG	9195	AQLSTRAEDAQ	13784	LSTRAED	0.135448	-0.23419
GS1394	4607	GCCCAAACCGTCCCCAACATCCCCATGGCACAG	9196	AQTVPNIPMAQ	13785	TVPNIPM	0.135363	-0.15317
GS1395	4608	GCCCAAAATTCGTTGTCTAAGCTGTCGGCACAG	9197	AQNSLSKLSAQ	13786	NSLSKLS	0.13513	-0.00256
SyS2424	4609	GCCCAAATGAATGAGCATCAGATGAAGGCACAG	9198	AQMNEHQMKAQ	13787	MNEHQMK	0.135017	-0.20339
GS1396	4610	GCCCAAGACGTCAAAGGCCACCAAAGCGCACAG	9199	AQDVKGHQSAQ	13788	DVKGHQS	0.135013	-0.096
SyS2427	4611	GCCCAAGACGTCAGCCTCCAAAAAGACGCACAG	9200	AQDVSLQKDAQ	13789	DVSLQKD	0.134944	-0.11931
GS1397	4612	GCCCAAACCAGACCCAGCGGCACCTACGCACAG	9201	AQTRPSGTYAQ	13790	TRPSGTY	0.134868	-0.16932
SyS2429	4613	GCCCAAGTTAAGGGGCCGGATTCTCTTGCACAG	9202	AQVKGPDSLAQ	13791	VKGPDSL	0.134815	-0.1792
SyS2430	4614	GCCCAAAACCACAGCAGCTACGAACTCGCACAG	9203	AQNHSSYELAQ	13792	NHSSYEL	0.13473	-0.14526
SyS2431	4615	GCCCAAACCGTCAGAACCCCCCTCATCGCACAG	9204	AQTVRTPLIAQ	13793	TVRTPLI	0.134668	-0.23497
SyS2432	4616	GCCCAAGCCAGCATCGACAGCCAACACGCACAG	9205	AQASIDSQHAQ	13794	ASIDSQH	0.134524	-0.20093
GS1401	4617	GCCCAAGATCAGAAGAATTCTGGGCATGCACAG	9206	AQDQKNSGHAQ	13795	DQKNSGH	0.134505	-0.18054

도면33eh

SyS2434	4618	GCCCAACTCGACACCAACAACAAAGCCGCACAG	9207	AQLDTNNKAAQ	13796	LDTNNKA	0.134292	0.171043
GP190	4619	GCCCAAGCGAGTGCTCATGCCGCAGGTTGCACAG	9208	AQASAHAQVAQ	13797	ASAHAQV	0.134161	0.132411
GS1403	4620	GCCCAAGACAGCGGCAAACACAACGACGCACAG	9209	AQDSGKHNDAQ	13798	DSGKHND	0.134104	-0.17919
GS1404	4621	GCCCAACTTAATCGGAATAGTGGTATGGCACAG	9210	AQLNRNSGMAQ	13799	LNRNSGM	0.134006	-0.08579
SyS2436	4622	GCCCAACCCACCATGCTCCCCGACAAAGCACAG	9211	AQPTMLPDKAQ	13800	PTMLPDK	0.133981	-0.21818
GS1406	4623	GCCCAAAGCACCCAAGTCAGCAACTACGCACAG	9212	AQSTQVSNYAQ	13801	STQVSNY	0.133756	-0.10556
SyS2439	4624	GCCCAATCTAATCAGACGCTGATGAGTGCACAG	9213	AQSNQTLMSAQ	13802	SNQTLMS	0.133656	-0.2268
GS1407	4625	GCCCAAAGAAACCCCGGCAGCACCAGCGCACAG	9214	AQRNPGSTSAQ	13803	RNPGSTS	0.133603	-0.05879
GS1409	4626	GCCCAACGTATGGCTCAGGGTTATAGTGCACAG	9215	AQRMAQGYSAQ	13804	RMAQGYS	0.133569	-0.1747
SyS2441	4627	GCCCAACAGGTTATGCGTCAGAGTAGTGCACAG	9216	AQQVMRQSSAQ	13805	QVMRQSS	0.133377	-0.22649
SyS2442	4628	GCCCAAAAGAATACGACGGTTAGTGATGCACAG	9217	AQKNTTVSDAQ	13806	KNTTVSD	0.133377	-0.22649
SyS2443	4629	GCCCAAACCGGCAAAACCGCCAGAGACGCACAG	9218	AQTGKTARDAQ	13807	TGKTARD	0.133287	-0.17382
SyS2444	4630	GCCCAAATCCTCAGAACCCTCACCGAAGCACAG	9219	AQILRTLTEAQ	13808	ILRTLTE	0.133244	-0.12829
GS1411	4631	GCCCAAAGACTCGACAACGCCGGCATGGCACAG	9220	AQRLDNAGMAQ	13809	RLDNAGM	0.133189	-0.08971
SyS2445	4632	GCCCAAAGTGGTACTGGTAGGCAGGCAGGCACAG	9221	AQSGTGRQQAQ	13810	SGTGRQQ	0.133033	-0.1101
SyS2447	4633	GCCCAACTCGGCAAAGACACCTTCAGCGCACAG	9222	AQLGKDTFSAQ	13811	LGKDTFS	0.132869	-0.1242
GS1413	4634	GCCCAACGGTATGATGGGTCTGTGGCTGCACAG	9223	AQRYDGSVAAQ	13812	RYDGSVA	0.132847	-0.13504
SyS2448	4635	GCCCAAGCCCACTACCCCGCCAGCACCGCACAG	9224	AQAHYPASTAQ	13813	AHYPAST	0.132836	-0.14405
SyS2449	4636	GCCCAAAAAAGCAACGGCAGCCCCCTCGCACAG	9225	AQKSNGSPLAQ	13814	KSNGSPL	0.132749	-0.09137
SyS2450	4637	GCCCAAAGAGACCTCGTCCTCACCAAAGCACAG	9226	AQRDLVLTKAQ	13815	RDLVLTK	0.132711	-0.13986
SyS2451	4638	GCCCAAACCAGCAACCCCGGCAACATGGCACAG	9227	AQTSNPGNMAQ	13816	TSNPGNM	0.132642	-0.18405
GS1414	4639	GCCCAATTGCCGAGGCCGAGTAATACGGCACAG	9228	AQLPRPSNTAQ	13817	LPRPSNT	0.132631	-0.16573
SyS2452	4640	GCCCAAACCGGCGGCGGCAGCTTCAGCGCACAG	9229	AQTGGGSFSAQ	13818	TGGGSFS	0.132596	0.004539
SyS2454	4641	GCCCAATACCCCAACAAAGAACTCAGCGCACAG	9230	AQYPNKELSAQ	13819	YPNKELS	0.132195	-0.06134
SyS2456	4642	GCCCAAACGATGGTGCATCAGGAGTCTGCACAG	9231	AQTMVHQESAQ	13820	TMVHQES	0.132057	-0.01475
SyS2457	4643	GCCCAAGTTAATAGTAATAATTCGATGGCACAG	9232	AQVNSNNSMAQ	13821	VNSNNSM	0.132035	-0.11468
GS1416	4644	GCCCAAAACGGCGTCCACGTCACCCCCGCACAG	9233	AQNGVHVTPAQ	13822	NGVHVTP	0.132015	-0.04532
SyS2458	4645	GCCCAAGCCAAATACCTCAACAGCAACGCACAG	9234	AQAKYLNSNAQ	13823	AKYLNSN	0.131997	-0.13316
SyS2460	4646	GCCCAAGGTATGACGAAGAATGGTGGGGCACAG	9235	AQGMTKNGGAQ	13824	GMTKNGG	0.131765	0.019619
SyS2461	4647	GCCCAACGGGGCGCGTGATGAGGGTATGGCACAG	9236	AQRARDEGMAQ	13825	RARDEGM	0.131684	-0.09036
GS1418	4648	GCCCAAGTCCCCAGCCCCGGCGCCACCGCACAG	9237	AQVPSPGATAQ	13826	VPSPGAT	0.131628	-0.18188
GS1419	4649	GCCCAAAAAACCCAACTCGGCCAAATGGCACAG	9238	AQKTQLGQMAQ	13827	KTQLGQM	0.131628	-0.18188

도면33ei

SyS2462	4650	GCCCAATCTACTTCGACGATTCAGCCGGCACAG	9239	AQSTSTIQPAQ	13828	STSTIQP	0.131508	-0.12707
SyS2463	4651	GCCCAACGTAAGGAGAATGCTAGTTATGCACAG	9240	AQRKENASYAQ	13829	RKENASY	0.131186	-0.19739
SyS2464	4652	GCCCAACTGACGAATCATGGGAATGTTGCACAG	9241	AQLTNHGNVAQ	13830	LTNHGNV	0.131105	-0.11468
SyS2465	4653	GCCCAACTCGACAACGTCCACAGCCACGCACAG	9242	AQLDNVHSHAQ	13831	LDNVHSH	0.131105	-0.20339
SyS2466	4654	GCCCAACCCACCATGGCCGTCACCCCCGCACAG	9243	AQPTMAVTPAQ	13832	PTMAVTP	0.131105	-0.22557
SyS2467	4655	GCCCCAAAAGCCTGAGCGTACTGAGGCGGCACAG	9244	AQKPERTEAAQ	13833	KPERTEA	0.131079	-0.17314
GS1420	4656	GCCCCAAACCGGCGCACAGAAAAAGCGGCGCACAG	9245	AQTGDRKSGAQ	13834	TGDRKSG	0.131063	-0.16623
GS1421	4657	GCCCCAAGCTAAGCATACTTCGTTTCCTGCACAG	9246	AQAKHTSFPAQ	13835	AKHTSFP	0.131036	-0.171
GS1422	4658	GCCCCAAGGGTTGGTTGCGTCGTTGGGGGCACAG	9247	AQGLVASLGAQ	13836	GLVASLG	0.131036	-0.171
SyS2468	4659	GCCCCAATCTGTTCCTAGGTCGGAGTTGGCACAG	9248	AQSVPRSELAQ	13837	SVPRSEL	0.130804	-0.11824
GS1425	4660	GCCCCAAGCTGAGAGGATTGGTATGGGTGCACAG	9249	AQAERIGMGAQ	13838	AERIGMG	0.130715	-0.04864
SyP69	4661	GCCCCAATCTCTGGTTCGGCAGTCTGATGCACAG	9250	AQSLVRQSDAQ	13839	SLVRQSD	0.130711	-0.04411
SyS2470	4662	GCCCCAACACGTCAAAGCCAACCCCATCGCACAG	9251	AQHVKANPIAQ	13840	HVKANPI	0.130681	-0.20093
SyS2473	4663	GCCCCAAGTCGTCGACACCCTCAAAAACGCACAG	9252	AQVVDTLKNAQ	13841	VVDTLKN	0.130632	-0.11957
SyS2474	4664	GCCCCAACAGATTCCTTATAATTCGTCGGCACAG	9253	AQQIPYNSSAQ	13842	QIPYNSS	0.130617	0.06558
SyS2475	4665	GCCCCAAGCTGATCATTCTATGCATGTTGCACAG	9254	AQADHSMHVAQ	13843	ADHSMHV	0.130612	-0.2231
SyS2476	4666	GCCCCAAAACCACGTCACCGCCCCAAGCCCGCACAG	9255	AQNHVTAQAAQ	13844	NHVTAQA	0.130454	-0.0399
GS1429	4667	GCCCCAAACCAACTTCACCAAAAGCGGGCGCACAG	9256	AQTNFTKSGAQ	13845	TNFTKSG	0.130388	0.51224
SyS2477	4668	GCCCCAATATGGTCATTCGATGACTAATGCACAG	9257	AQYGHSMTNAQ	13846	YGHSMTN	0.130368	-0.17678
SyS2479	4669	GCCCCAAATGAGACCCGACCTCAAAACCGCACAG	9258	AQMRPDLKTAQ	13847	MRPDLKT	0.130368	-0.23133
SyS2480	4670	GCCCCAAGGCCCCGGCACCAGCTTCAAAGCACAG	9259	AQGPGTSFKAQ	13848	GPGTSFK	0.130368	-0.23133
SyS2481	4671	GCCCCAAAGTTCTACGACTCCTGGGCTTGCACAG	9260	AQSSTTPGLAQ	13849	SSTTPGL	0.130295	-0.09714
SS170	4672	GCCCCAATCGGTGAAGGCTAATCCTACTGCACAG	9261	AQSVKANPTAQ	13850	SVKANPT	0.130019	-0.37951
GS1430	4673	GCCCCAAACCCCCCACCGTCTTCACCCCCGCACAG	9262	AQTPTVFTPAQ	13851	TPTVFTP	0.129999	-0.15574
GP193	4674	GCCCCAAATGCTGCCTAGTCCTGGGTCGGCACAG	9263	AQMLPSPGSAQ	13852	MLPSPGS	0.129923	-0.06982
GS1432	4675	GCCCCAAAACTTCGACTACGCCAAACCCGCACAG	9264	AQNFDYAKPAQ	13853	NFDYAKP	0.129793	-0.15945
SyS2482	4676	GCCCCAAACCCTCAACACCAGCCCCATGGCACAG	9265	AQTLNTSPMAQ	13854	TLNTSPM	0.129754	-0.11431
SyS2483	4677	GCCCCAAACCAACAGCCCCAAAAGCACCGCACAG	9266	AQTNSPKSTAQ	13855	TNSPKST	0.129681	-0.17136
SyS2484	4678	GCCCCAAGTCACCCCCGGCAGATACAGCGCACAG	9267	AQVTPGRYSAQ	13856	VTPGRYS	0.129681	-0.17136
SyS2485	4679	GCCCCAAACCAGAGTCAGCAACCTCGACGCACAG	9268	AQTRVSNLDAQ	13857	TRVSNLD	0.129667	0.015982
GS1433	4680	GCCCCAAAGTCATGGTCCTGATAGGACGGCACAG	9269	AQSHGPDRTAQ	13858	SHGPDRT	0.129608	-0.18278
SyS2488	4681	GCCCAAAATATTCATACGGCTACGACTGCACAG	9270	AQNIHTATTAQ	13859	NIHTATT	0.12948	-0.21072

도면33ej

SyS2490	4682	GCCCAATTGCTTCCGCAGACTACGCTTGCACAG	9271	AQLLPQTTLAQ	13860	LLPQTTL	0.129383	-0.05215
SyS2491	4683	GCCCAACGTACTAATGATACTTCGGCGGCACAG	9272	AQRTNDTSAAQ	13861	RTNDTSA	0.12914	-0.15534
GS1435	4684	GCCCAAGAAAGAAACGGCAGCCACGAAGCACAG	9273	AQERNGSHEAQ	13862	ERNGSHE	0.129106	-0.14524
GS1436	4685	GCCCAAAACACCAGAGAAGCCTTCATCGCACAG	9274	AQNTREAFIAQ	13863	NTREAFI	0.129068	-0.15676
GS1437	4686	GCCCAAGTCGGCCAATACGCCAGCCCCGCACAG	9275	AQVGQYASPAQ	13864	VGQYASP	0.129006	0.012421
GS1438	4687	GCCCAAGTCGCCGAAACCGGCAGAACCGCACAG	9276	AQVAETGRTAQ	13865	VAETGRT	0.128986	-0.17672
GS1439	4688	GCCCAAATGAGCGCCGGCAGCAACAGCGCACAG	9277	AQMSAGSNSAQ	13866	MSAGSNS	0.128951	-0.17381
SyS2492	4689	GCCCAACTCAGCCCCAAAAACGCCCAAGCACAG	9278	AQLSPKNAQAQ	13867	LSPKNAQ	0.128916	-0.17799
SyS2497	4690	GCCCAAAGCGGCACCAGCCAACTCCCCGCACAG	9279	AQSGTSQLPAQ	13868	SGTSQLP	0.128594	-0.19969
SS171	4691	GCCCAAAGACTCCAAGACAAACCCCAAGCACAG	9280	AQRLQDKPQAQ	13869	RLQDKPQ	0.12854	-0.41153
SyS2498	4692	GCCCAAAACGTCCCCAGAAGCAGCGTCGCACAG	9281	AQNVPRSSVAQ	13870	NVPRSSV	0.128415	-0.15738
SyS2500	4693	GCCCAAGCCCTCGGCAGCCCCAGACCGCACAG	9282	AQALGSPRPAQ	13871	ALGSPRP	0.128407	-0.13686
SyS2501	4694	GCCCAAGCGAAGGAGCCTATGAGTGCGGCACAG	9283	AQAKEPMSAAQ	13872	AKEPMSA	0.128223	-0.19723
GS1441	4695	GCCCAAGCCGTCAGCGGCGCCGCCCACGCACAG	9284	AQAVSGAAHAQ	13873	AVSGAAH	0.128127	-0.15781
SyS2502	4696	GCCCAATACAACACAAAAGCGCCGCCGCACAG	9285	AQYNNKSAAAQ	13874	YNNKSAA	0.12811	-0.15904
SyS2503	4697	GCCCAACAAGTCAGCGTCAGAAACCTCGCACAG	9286	AQQVSVRNLAQ	13875	QVSVRNL	0.12807	-0.18769
SyS2504	4698	GCCCAAAAGGGTACTCATCCTCCGGCTGCACAG	9287	AQKGTHPPAAQ	13876	KGTHPPA	0.12807	-0.18769
GS1442	4699	GCCCAACAGTATCCTAATAGTAAGGTTGCACAG	9288	AQQYPNSKVAQ	13877	QYPNSKV	0.128026	-0.16623
SyS2505	4700	GCCCAACATAATGCTTCGAATTCTGGGGCACAG	9289	AQHNASNSGAQ	13878	HNASNSG	0.127942	-0.14283
SyS2507	4701	GCCCAAGAACTCAACCCCAAATTCATCGCACAG	9290	AQELNPKFIAQ	13879	ELNPKFI	0.127896	-0.19981
SyS2508	4702	GCCCAATCGCGTGAGACTCCTGGGACTGCACAG	9291	AQSRETPGTAQ	13880	SRETPGT	0.127851	0.095109
SyS2509	4703	GCCCAAAATTTTAAGCCGCAGAATGAGGCACAG	9292	AQNFKPQNEAQ	13881	NFKPQNE	0.127738	-0.18121
SyS2510	4704	GCCCAAGCTATGACTTCGGGGTCGGCGGCACAG	9293	AQAMTSGSAAQ	13882	AMTSGSA	0.127637	-0.16708
GS1443	4705	GCCCAAAAGGATCCGAGGAGTACGTTGGCACAG	9294	AQKDPRSTLAQ	13883	KDPRSTL	0.127399	-0.16842
GS1444	4706	GCCCAAGACAGAGGCACCAGAACCGTCGCACAG	9295	AQDRGTRTVAQ	13884	DRGTRTV	0.127399	-0.16842
GS1445	4707	GCCCAAAGCCTCGCCAGAAACAACGTCGCACAG	9296	AQSLARNNVAQ	13885	SLARNNV	0.127397	-0.15097
SyS2511	4708	GCCCAAGCCATCAGATTCAACGAACCCGCACAG	9297	AQAIRFNEPAQ	13886	AIRFNEP	0.127317	-0.23012
SyS2512	4709	GCCCAACAACACCACATCGCCACCCCCGCACAG	9298	AQQHHIATPAQ	13887	QHHIATP	0.127284	0.014485
GS1447	4710	GCCCAACAGATTTTGAGGGAGCCGGTGGCACAG	9299	AQQILREPVAQ	13888	QILREPV	0.127158	-0.17291
GS1448	4711	GCCCAAACTGTTGTTAATAAGCTTAGTGCACAG	9300	AQTVVNKLSAQ	13889	TVVNKLS	0.127158	-0.17291
SyS2513	4712	GCCCAAAGAGACAACACCACCAAATTCGCACAG	9301	AQRDNTTKFAQ	13890	RDNTTKF	0.127154	0.054334
SyS2515	4713	GCCCAAAGCCTCCTCAGCACCCTCGGCGCACAG	9302	AQSLLSTLGAQ	13891	SLLSTLG	0.127046	-0.22803

도면33ek

SyS2516	4714	GCCCAAGGCCAAGTCCCGTCACCAGAGCACAG	9303	AQGQVPVTRAQ	13892	GQVPVTR	0.126817	-0.1319
SyS2517	4715	GCCCAAATCCAAAACAGCCTCATGCCCGCACAG	9304	AQIQNSLMPAQ	13893	IQNSLMP	0.126654	-0.0084
GP194	4716	GCCCAACAGCATAATACGCAGAATACTGCACAG	9305	AQQHNTQNTAQ	13894	QHNTQNT	0.126648	-0.07218
SyS2518	4717	GCCCAAGTCGGCCCCACCATGACCCACGCACAG	9306	AQVGPTMTHAQ	13895	VGPTMTH	0.126491	-0.15781
GS1450	4718	GCCCAAACCAACGTCACCATGGCCAGAGCACAG	9307	AQTNVTMARAQ	13896	TNVTMAR	0.126427	-0.17481
GS1451	4719	GCCCAAAGCGCCCACTTCACCGGCACCGCACAG	9308	AQSAHFTGTAQ	13897	SAHFTGT	0.126427	-0.17481
GS1453	4720	GCCCAAAGATACAGCGTCAACGACAAAGCACAG	9309	AQRYSVNDKAQ	13898	RYSVNDK	0.126337	-0.17201
SyS2519	4721	GCCCAAGTCTACAAAAGCGCCGACCCCGCACAG	9310	AQVYKSADPAQ	13899	VYKSADP	0.126276	-0.13556
SyS2521	4722	GCCCAAGTCCACACCGCCCTCCCCATGGCACAG	9311	AQVHTALPMAQ	13900	VHTALPM	0.126124	-0.17435
SyS2522	4723	GCCCAAACTATTAGTAGTGCTGGTATTGCACAG	9312	AQTISSAGIAQ	13901	TISSAGI	0.126033	-0.07473
GS1455	4724	GCCCAAAGGTTGCCTTCGACTCAGGCGGCACAG	9313	AQRLPSTQAAQ	13902	RLPSTQA	0.126016	-0.12848
SyS2523	4725	GCCCAAAGCCAAGAAAGAGCCATGAGCGGCACAG	9314	AQSQERAMSAQ	13903	SQERAMS	0.125872	-0.20709
GS1456	4726	GCCCAAATGAATCAGCTTGCGAATCCTGCACAG	9315	AQMNQLANPAQ	13904	MNQLANP	0.125837	-0.12712
SyS2524	4727	GCCCAATTTGGGGCGACTAGTGGGCAGGCACAG	9316	AQFGATSGQAQ	13905	FGATSGQ	0.12559	-0.11323
SyS2525	4728	GCCCAAACGCTTCTTCGTTCTCCTGCTGCACAG	9317	AQTLLRSPAAQ	13906	TLLRSPA	0.125488	-0.14526
GS1457	4729	GCCCAACTTAGGTCGAATGTGTCGAATGCACAG	9318	AQLRSNVSNAQ	13907	LRSNVSN	0.125352	-0.12087
GS1458	4730	GCCCAAATCGCCAACAGCCAAGCCGCCGCACAG	9319	AQIANSQAAAQ	13908	IANSQAA	0.125352	-0.10113
TS177	4731	GCCCAATCTAATCGTATTGTGCCTGTTGCACAG	9320	AQSNRIVPVAQ	13909	SNRIVPV	0.125315	-0.25713
GP197	4732	GCCCAATCTCCGAATCCTTCTAATGCGGCACAG	9321	AQSPNPSNAAQ	13910	SPNPSNA	0.125295	-0.0703
SyS2526	4733	GCCCAAAAATGGGACAGCGCCAACGAAGCACAG	9322	AQKWDSANEAQ	13911	KWDSANE	0.125284	-0.10361
SyS2527	4734	GCCCAAGCTTCTCGTCAGGGTGAGGCTGCACAG	9323	AQASRQGEAAQ	13912	ASRQGEA	0.125259	-0.10404
SyS2528	4735	GCCCAAGTTCCTGGGAAATAGTCCTCATGCACAG	9324	AQVPGNSPHAQ	13913	VPGNSPH	0.125198	-0.15738
SyS2529	4736	GCCCAAAGCGCCACCACCAACAGCGTCGCACAG	9325	AQSATTNSVAQ	13914	SATTNSV	0.125189	0.067512
SyS2530	4737	GCCCAACACATCGGCGCCCAGACAAGTCGCACAG	9326	AQHIGARQVAQ	13915	HIGARQV	0.125155	-0.15904
GS1462	4738	GCCCAACTTACGGATCGTTCTCCTATGGCACAG	9327	AQLTDRSPMAQ	13916	LTDRSPM	0.125019	-0.13728
SyS2531	4739	GCCCAAAATCCGACGCAGGCTGTTTTGGCACAG	9328	AQNPTQAVLAQ	13917	NPTQAVL	0.124871	-0.21679
GS1464	4740	GCCCAAACCAAAAACGAAACCGGCACCGCACAG	9329	AQTKNETGTAQ	13918	TKNETGT	0.124832	-0.05823
SyS2533	4741	GCCCAACTCACCGCCACCCTCACCAGCGCACAG	9330	AQLTATLTSAQ	13919	LTATLTS	0.124607	-0.2268
SyS2535	4742	GCCCAATATAAGGCTAGTTATGCTGCGGCACAG	9331	AQYKASYAAAQ	13920	YKASYAA	0.124548	-0.07814
SyS2536	4743	GCCCAAACTCTTCCTGATAAGGTGTCGGCACAG	9332	AQTLPDKVSAQ	13921	TLPDKVS	0.124499	-0.18163
SyS2537	4744	GCCCAAAATAATCATATTCCTTTGGCTGCACAG	9333	AQNNHIPLAAQ	13922	NNHIPLA	0.12448	-0.10087
SyS2538	4745	GCCCAATCTAATCTGACGTCTAATCCTGCACAG	9334	AQSNLTSNPAQ	13923	SNLTSNP	0.124443	0.020734

도면33e1

SS177	4746	GCCCAACAACAAAACGACAGAAACGCCGCACAG	9335	AQQQNDRNAAQ	13924	QQNDRNA	0.124316	-0.33917
SyS2540	4747	GCCCAAATGCTCAGCACCAACAGAAGCGCACAG	9336	AQMLSTNRSAQ	13925	MLSTNRS	0.124294	-0.18769
SyS2541	4748	GCCCAAATCACCAGCGCCACCCTCAGCGCACAG	9337	AQITSATLSAQ	13926	ITSATLS	0.124242	-0.22434
GS1465	4749	GCCCAAGTCGACGCCATGCAAAGACCCGCACAG	9338	AQVDAMQRPAQ	13927	VDAMQRP	0.124217	-0.16051
GS1466	4750	GCCCAAAGAGAAGCCAACTACGCCAGCGCACAG	9339	AQREANYASAQ	13928	REANYAS	0.124095	-0.18368
GS1467	4751	GCCCAACGTAGTAATAATGCTGATCTGGCACAG	9340	AQRSNNADLAQ	13929	RSNNADL	0.12408	-0.18054
SyS2542	4752	GCCCAAGGCCTCGACAAAATGGGCAGCGCACAG	9341	AQGLDKMGSAQ	13930	GLDKMGS	0.124074	-0.00826
GS1468	4753	GCCCAATTCACCACAGCCACGCCCCGCACAG	9342	AQFTTSHAPAQ	13931	FTTSHAP	0.123988	-0.13761
GS1469	4754	GCCCAAGACAAAAGCGTCAAATTCGCCGCACAG	9343	AQDKSVKFAAQ	13932	DKSVKFA	0.123988	-0.13761
SyS2544	4755	GCCCAACACGCCAAAAAAGAACTCCAAGCACAG	9344	AQHAKKELQAQ	13933	HAKKELQ	0.123802	-0.22042
SyS2546	4756	GCCCAAGTCGAAAGCAAAGGCGCCAGCGCACAG	9345	AQVESKGASAQ	13934	VESKGAS	0.123704	0.11358
GS1470	4757	GCCCAAAAAACCGCCCCCAGCATGGGCGCACAG	9346	AQKTAPSMGAQ	13935	KTAPSMG	0.123698	-0.14537
GS1471	4758	GCCCAAGGCCTCAGAACCGACAACAGAGCACAG	9347	AQGLRTDNRAQ	13936	GLRTDNR	0.123641	-0.1476
SyS2548	4759	GCCCAACGTATTGCGGGGAATAATCCTGCACAG	9348	AQRIAGNNPAQ	13937	RIAGNNP	0.123582	-0.1295
GS1472	4760	GCCCAAAAAGACCCCCACCAAGTCGTCGCACAG	9349	AQKDDPHQVVAQ	13938	KDPHQVV	0.123524	-0.16241
SyS2549	4761	GCCCAAGAGCAGACTCCGCATAATTCGGCACAG	9350	AQEQTPHNSAQ	13939	EQTPHNS	0.123505	-0.22649
SyS2550	4762	GCCCAAGGGCCTGGATAAGGGGAATTGGGCACAG	9351	AQGLDKGNWAQ	13940	GLDKGNW	0.12349	-0.08183
SyS2551	4763	GCCCAACCTTCGAATGGGAATTATTCGGCACAG	9352	AQPSNGNYSAQ	13941	PSNGNYS	0.123474	-0.17072
SyS2552	4764	GCCCAAGGCAGACCCGGCATCGGCAGCGCACAG	9353	AQGSRPGIGSAQ	13942	GRPGIGS	0.123474	-0.17072
SyS2553	4765	GCCCAAAGGACGTCTCCTGGGGTGTCGGCACAG	9354	AQRTSPGVSAQ	13943	RTSPGVS	0.123431	-0.18737
SyS2554	4766	GCCCAAGTCAACGCCAGCCTCATCAGCGCACAG	9355	AQVNASLISAQ	13944	VNASLIS	0.123431	-0.18737
SyS2555	4767	GCCCAAAAAACCAGCACCAACCTCCAAGCACAG	9356	AQKTSTNLQAQ	13945	KTSTNLQ	0.1234	-0.13556
SyS2556	4768	GCCCAAATGGATATGAAGCAGAATATGGCACAG	9357	AQMDMKQNMAQ	13946	MDMKQNM	0.123199	-0.09592
SyS2557	4769	GCCCAAGATCTTAATGGGATTAATGTTGCACAG	9358	AQDLNGINVAQ	13947	DLNGINV	0.12317	-0.17988
GS1475	4770	GCCCAACGTACGCCTCCGAGTTTTGAGGCACAG	9359	AQRTPPSFEAQ	13948	RTPPSFE	0.122987	-0.12067
SyS2559	4771	GCCCAAGACTTCCACGACAGAAAAGGCGCACAG	9360	AQDFHDRKGAQ	13949	DFHDRKG	0.122909	-0.13314
GS1476	4772	GCCCAACTCCACACCCAAACCCAAACCGCACAG	9361	AQLHTQTQTAQ	13950	LHTQTQT	0.122656	-0.17381
SyS2561	4773	GCCCAACTCGGCGCCAGCAACAACGCCGCACAG	9362	AQLGASNNAAQ	13951	LGASNNA	0.122644	-0.09068
SyS2562	4774	GCCCAAATCGCCAGCGTCCCCAGAGACGCACAG	9363	AQIASVPRDAQ	13952	IASVPRD	0.122568	-0.22803
SyS2563	4775	GCCCAAAAAGCCAAAGACGTCGGCGACGCACAG	9364	AQKAKDVGDAQ	13953	KAKDVGD	0.122492	-0.14548
SyS2564	4776	GCCCAAAGCGCCTTCGCCGCCAAACAAGCACAG	9365	AQSAFAAKQAQ	13954	SAFAAKQ	0.122374	-0.11616
SyS2565	4777	GCCCAAGTCTACCAAGGCCAACACCTCGCACAG	9366	AQVYQGQHLAQ	13955	VYQGQHL	0.12237	-0.19353

도면33em

SyS2567	4778	GCCCAATACCTCCCCGCCGCCAGCAGCGCACAG	9367	AQYLPAASSAQ	13956	YLPAASS	0.122028	-0.15738
SyS2568	4779	GCCCAAAGCCCCAGCACCGTCATCAGCGCACAG	9368	AQSPSTVISAQ	13957	SPSTVIS	0.121889	-0.22164
SyS2569	4780	GCCCAAGGCACCAACAAACCCCCCGACGCACAG	9369	AQGTNKPPDAQ	13958	GTNKPPD	0.121621	-0.22064
SyS2570	4781	GCCCAAGAAAGCACCGGCGCCATCAGAGCACAG	9370	AQESTGAIRAQ	13959	ESTGAIR	0.121621	-0.22064
SS180	4782	GCCCAACTCATGAACACCACCATCGCCGCACAG	9371	AQLMNTTIAAQ	13960	LMNTTIA	0.121608	-0.32745
GS1478	4783	GCCCAAATGGCGGGTGTTGCTCAGCCTGCACAG	9372	AQMAGVAQPAQ	13961	MAGVAQP	0.121335	-0.18637
SyS2573	4784	GCCCAACGGCCGGAGCTTAAGCGTGAGGCACAG	9373	AQRPELKREAQ	13962	RPELKRE	0.121162	-0.20466
SyS2574	4785	GCCCAAAAGCCCAAGACACCCCCACCGCACAG	9374	AQKAQDTPTAQ	13963	KAQDTPT	0.121141	-0.07163
GS1480	4786	GCCCAAAGCACCAACCACAGCACCAGCGCACAG	9375	AQSTNHSTSAQ	13964	STNHSTS	0.120864	-0.17291
GS1481	4787	GCCCAATTCCCCAGAACCACCACCGACGCACAG	9376	AQFPRTTTDAQ	13965	FPRTTTD	0.120827	-0.11818
SyS2576	4788	GCCCAATCGCGTGCTCATAATTTGGATGCACAG	9377	AQSRAHNLDAQ	13966	SRAHNLD	0.120812	-0.23173
SyS2577	4789	GCCCAACGTACTATTCAGGAGGGGATTGCACAG	9378	AQRTIQEGIAQ	13967	RTIQEGI	0.120812	-0.23173
GS1482	4790	GCCCAAGGCGGCAAAAGCTTCGCCCAAGCACAG	9379	AQGGKSFAQAQ	13968	GGKSFAQ	0.120713	-0.18054
SyS2578	4791	GCCCAAGGCAGACCCAGCAGCACCCAAGCACAG	9380	AQGRPSSTQAQ	13969	GRPSSTQ	0.120696	-0.01043
SyS2579	4792	GCCCAAAACCCCCTCAACACCAGCACCGCACAG	9381	AQNPLNTSTAQ	13970	NPLNTST	0.120592	-0.13772
GS1483	4793	GCCCAAGAAAACCTCAGCAACGGCAGAGCACAG	9382	AQENLSNGRAQ	13971	ENLSNGR	0.120537	-0.0855
GP199	4794	GCCCAAGAGAATACTATTCGGATGAGTGCACAG	9383	AQENTIRMSAQ	13972	ENTIRMS	0.12044	-0.07273
SyS2582	4795	GCCCAACCCCCCAGAAGCATGCCCATGGCACAG	9384	AQPPRSMPMAQ	13973	PPRSMPM	0.120421	-0.16466
SyS2583	4796	GCCCAACTCCTCAGCAGCAACCTCCCCGCACAG	9385	AQLLSSNLPAQ	13974	LLSSNLP	0.120362	-0.09427
SyS2586	4797	GCCCAAAGAGTCCAAAGCCTCAACGAAGCACAG	9386	AQRVQSLNEAQ	13975	RVQSLNE	0.120212	-0.06599
SyS2588	4798	GCCCAACCGAGAGGGCGCAGGATGATGCACAG	9387	AQPRRAQDDAQ	13976	PRRAQDD	0.119774	-0.17678
SyS2589	4799	GCCCAACAAGGCAACGTCAACGTCGGCGCACAG	9388	AQQGNVNVGAQ	13977	QGNVNVG	0.11977	-0.05616
GS1484	4800	GCCCAAAGCGGCGAAACCCTCAGAGGCGCACAG	9389	AQSGETLRGAQ	13978	SGETLRG	0.119683	-0.05248
SyS2590	4801	GCCCAACACGTCAGCCACAACACCGACGCACAG	9390	AQHVSHNTDAQ	13979	HVSHNTD	0.119543	-0.20093
SyS2592	4802	GCCCAATTTGGTGGGGGGTCGCTGGTTGCACAG	9391	AQFGGGSLVAQ	13980	FGGGSLV	0.119216	-0.10883
SyS2593	4803	GCCCAACCCAGCCTCAGAAGCGAAGGCGCACAG	9392	AQPSLRSEGAQ	13981	PSLRSEG	0.119011	-0.00524
SS186	4804	GCCCAAGTGCGTAGTGAGAATGGTGTGGCACAG	9393	AQVRSENGVAQ	13982	VRSENGV	0.118723	-0.33991
SyS2594	4805	GCCCAAACCCTCAAAGTCACCGGCGACGCACAG	9394	AQTLKVTGDAQ	13983	TLKVTGD	0.118628	-0.14041
SyS2595	4806	GCCCAAGTCCCCAAAGTCTACCTCGACGCACAG	9395	AQVPKVYLDAQ	13984	VPKVYLD	0.118518	-0.16766
SyS2597	4807	GCCCAAACTAGTATGCGGAATACGGAGGCACAG	9396	AQTSMRNTEAQ	13985	TSMRNTE	0.118368	-0.09192
GS1486	4808	GCCCAAGGCTACAGCCACGGCAGCATGGCACAG	9397	AQGYSHGSMAQ	13986	GYSHGSM	0.118333	-0.05276
SyS2598	4809	GCCCAAGCCACCTTCCCCGAAAAACAAGCACAG	9398	AQATFPEKQAQ	13987	ATFPEKQ	0.118306	-0.18614

도면33en

SyS2599	4810	GCCCAAACCGGCCCCACCCACGGCACCGCACAG	9399	AQTGPTHGTAQ	13988	TGPTHGT	0.118306	-0.18614
GS1490	4811	GCCCAAACCAACGACAGACACGCCCCGCACAG	9400	AQTNDRHAPAQ	13989	TNDRHAP	0.118185	-0.1451
SyS2600	4812	GCCCAAAGACACCTCGCCAGCGTCGACGCACAG	9401	AQRHLASVDAQ	13990	RHLASVD	0.118181	-0.22803
SyS2601	4813	GCCCAAAATATGATTCAGCCTAGTAATGCACAG	9402	AQNMIQPSNAQ	13991	NMIQPSN	0.118011	-0.22406
GS1492	4814	GCCCAAAACCTCAGCGGCAGCCCCGCCGCACAG	9403	AQNLSGSPAAQ	13992	NLSGSPA	0.117908	-0.11652
SyS2602	4815	GCCCCAACAAACCGTCGGCCCCCTCCCCGCACAG	9404	AQQTVGPLPAQ	13993	QTVGPLP	0.117854	-0.21557
SyS2604	4816	GCCCCAAGTCGGCCACCTCAGCAGAGACGCACAG	9405	AQVGHLSRDAQ	13994	VGHLSRD	0.117641	-0.03829
SyS2605	4817	GCCCCAACAAAACTTCAACGCCGGCCACGCACAG	9406	AQQNFNAGHAQ	13995	QNFNAGH	0.117535	-0.0709
GS1493	4818	GCCCCAACTCACCGGCGCCGCCAGAGTCGCACAG	9407	AQLTGAARVAQ	13996	LTGAARV	0.117519	-0.17919
GS1494	4819	GCCCCAAGGGACTCGTCCGACTGCGACGGCACAG	9408	AQGTRPTATAQ	13997	GTRPTAT	0.117449	-0.15669
SyS2607	4820	GCCCCAAATGCCCCTCAGCGTCGCCCCCGCACAG	9409	AQMPLSVAPAQ	13998	MPLSVAP	0.116992	-0.1392
GS1495	4821	GCCCCAAGACAGAGTCCAACAATTCAGCGCACAG	9410	AQDRVQQFSAQ	13999	DRVQQFS	0.11689	-0.16146
SyS2610	4822	GCCCCAAAACAACGACACCAGCACCAAAGCACAG	9411	AQNNDTSTKAQ	14000	NNDTSTK	0.116554	-0.23419
SyS2611	4823	GCCCCAACCTTCGAAGAATACTCATATTGCACAG	9412	AQPSKNTHIAQ	14001	PSKNTHI	0.116554	-0.23419
SyS2612	4824	GCCCCAACCTTTTAAGGCTGATGTTACGGCACAG	9413	AQPFKADVTAQ	14002	PFKADVT	0.116512	-0.20224
SyS2613	4825	GCCCCAACCTAAGACTCCTACTTATGTGGCACAG	9414	AQPKTPTYVAQ	14003	PKTPTYV	0.116298	-0.20586
SyS2614	4826	GCCCCAACTCACCAACATGACCACCCCCGCACAG	9415	AQLTNMTTPAQ	14004	LTNMTTP	0.116179	0.069335
SyS2615	4827	GCCCCAAGGTAGTAAGGTGCATCTTTCTGCACAG	9416	AQGSKVHLSAQ	14005	GSKVHLS	0.116046	-0.22527
SyS2616	4828	GCCCCAATCTATTCCGGGTTATAATAATGCACAG	9417	AQSIPGYNNAQ	14006	SIPGYNN	0.116006	-0.21679
GS1497	4829	GCCCCAAATGAAAACCGCCGAAAGCTACGCACAG	9418	AQMKTAESYAQ	14007	MKTAESY	0.115832	-0.1756
SyS2618	4830	GCCCCAAAACGGCGACAGACTCCTCAACGCACAG	9419	AQNGDRLLNAQ	14008	NGDRLLN	0.115647	0.03466
SS189	4831	GCCCCAAGGCACCACCCACACCAGCCTCGCACAG	9420	AQGTTHTSLAQ	14009	GTTHTSL	0.11558	-0.38281
GS1499	4832	GCCCCAACTCGGCCCCAGCACCCCAAAGCGCACAG	9421	AQLGPSTQSAQ	14010	LGPSTQS	0.115388	-0.14619
SyS2619	4833	GCCCCAAATGAACGCCCTCACCGACAAAGCACAG	9422	AQMNALTDKAQ	14011	MNALTDK	0.115181	-0.16027
SyS2620	4834	GCCCCAAAGCAGCAAAGAAATCAGCCTCGCACAG	9423	AQSSKEISLAQ	14012	SSKEISL	0.114992	-0.07231
SyS2621	4835	GCCCCAACTCGACAACGGCACCACCAGAGCACAG	9424	AQLDNGTTRAQ	14013	LDNGTTR	0.114827	-0.15288
SyS2622	4836	GCCCCAACGTGTGAATTTTAATTCGGATGCACAG	9425	AQRVNFNSDAQ	14014	RVNFNSD	0.114822	-0.20345
SyS2623	4837	GCCCCAAAACATGCAAGCCATCAGCAACGCACAG	9426	AQNMQAISNAQ	14015	NMQAISN	0.114811	-0.08155
SyS2624	4838	GCCCCAAAACACCAACCCCAGAAGCATCGCACAG	9427	AQNTNPRSIAQ	14016	NTNPRSI	0.114545	0.005791
SyS2625	4839	GCCCCAAAAAATCAACAGCAACAGCCCCGCACAG	9428	AQKINSNSPAQ	14017	KINSNSP	0.114472	-0.07131
GS1501	4840	GCCCCAAGTCCCCCTCGGCAAAGCCAGCGCACAG	9429	AQVPLGKASAQ	14018	VPLGKAS	0.114441	-0.18637
SyS2628	4841	GCCCCAACGGCTGAATCATAATTCGCCTGCACAG	9430	AQRLNHNSPAQ	14019	RLNHNSP	0.11425	-0.20216

도면33eo

GS1502	4842	GCCCAACAACTCAACACCGTCCTCCCGCACAG	9431	AQQLNTVLPAQ	14020	QLNTVLP	0.114132	-0.18054
SyS2630	4843	GCCCAAGACAGCTTCGGCAAAAGCCTCGCACAG	9432	AQDSFGKSLAQ	14021	DSFGKSL	0.114045	-0.16643
SyS2631	4844	GCCCAAAAGCCGCCTAAGTTGGTTGATGCACAG	9433	AQKPPKLVDAQ	14022	KPPKLVD	0.113972	-0.17314
GS1504	4845	GCCCAACAAATCACCGTCGGCAAACCCGCACAG	9434	AQQITVGKPAQ	14023	QITVGKP	0.113906	-0.15574
GS1505	4846	GCCCAACAACACCCCCACGGCCAACAAGCACAG	9435	AQQHPHGQQAQ	14024	QHPHGQQ	0.113842	-0.16214
SyS2633	4847	GCCCAAACTTCGACTAATATGGCGGCTGCACAG	9436	AQTSTNMAAAQ	14025	TSTNMAA	0.113622	-0.04892
SyS2634	4848	GCCCAACAAGGCGGCCTCGCCGTCGTCGGCACAG	9437	AQQGGLAVVAQ	14026	QGGLAVV	0.113622	-0.15657
GS1507	4849	GCCCAAGGGAGGGGTAGTCTTCCGTTTGCACAG	9438	AQGRGSLPFAQ	14027	GRGSLPF	0.113603	-0.18816
SyS2637	4850	GCCCAAAGCGGCAAACCGCCAGCGAAGCACAG	9439	AQSGKPASEAQ	14028	SGKPASE	0.113257	-0.18245
GS1508	4851	GCCCAACGGTCTGTTAGTGTGAATTCTGCACAG	9440	AQRSVSVNSAQ	14029	RSVSVNS	0.11314	-0.18245
SyS2638	4852	GCCCAAGACAGAGGCGGCGTCGTCGCCGCACAG	9441	AQDRGGVVAAQ	14030	DRGGVVA	0.113119	-0.20466
SyS2639	4853	GCCCAAGGTCGTGAGACTGGTTTTCGGCACAG	9442	AQGRETGFSAQ	14031	GRETGFS	0.112987	-0.21315
SyS2640	4854	GCCCAACAGATTGTTCCGTCGAATCCGGCACAG	9443	AQQIVPSNPAQ	14032	QIVPSNP	0.112987	-0.21315
SyP73	4855	GCCCAAACGACGTTGGGTCATAGTTATTCACAG	9444	AQTTLGHSYSQ	14033	TTLGHSY	0.11285	-0.03826
SyS2642	4856	GCCCAAAGCAGAGAATTCCAACTCGCCGCACAG	9445	AQSREFQLAAQ	14034	SREFQLA	0.112786	-0.15738
GS1510	4857	GCCCAAGGCAGAGACCACACAACATCGGCGCACAG	9446	AQGRDHNIGAQ	14035	GRDHNIG	0.112781	-0.17386
TS179	4858	GCCCAATCGAATAATTCTCGGCCGAATGCACAG	9447	AQSNNSRPNAQ	14036	SNNSRPN	0.112766	-0.14993
SyS2643	4859	GCCCAAAAAAACCAAAGCAGCGACCTCGCACAG	9448	AQKNQSSDLAQ	14037	KNQSSDL	0.11276	0.0834
SyS2644	4860	GCCCAACCCAACGACAGAGCCCACGGCGCACAG	9449	AQPNDRAHGAQ	14038	PNDRAHG	0.112742	-0.19375
SyS2645	4861	GCCCAAGCTCTGACTAGGACTCAGTCTGCACAG	9450	AQALTRTQSAQ	14039	ALTRTQS	0.11269	-0.10041
SyS2647	4862	GCCCAAATGAGACCCCCCAGCGACAAAGCACAG	9451	AQMRPPSDKAQ	14040	MRPPSDK	0.112599	-0.20224
TS180	4863	GCCCAAACGAATTCGACTACGAAGTCGGCACAG	9452	AQTNSTTKSAQ	14041	TNSTTKS	0.112569	-0.20873
SyS2648	4864	GCCCAAGGCAGACACGGCATGACCGCCGCACAG	9453	AQGRHGMTAAQ	14042	GRHGMTA	0.112548	-0.08222
GS1511	4865	GCCCAAGTCAGCCACATCAGCCCCGCCGCACAG	9454	AQVSHISPAAQ	14043	VSHISPA	0.112496	-0.13761
GS1512	4866	GCCCAAAAGGTTACTAGTAATAGTTCGGCACAG	9455	AQKVTSNSSAQ	14044	KVTSNSS	0.112386	-0.16241
SyS2649	4867	GCCCAAATGTACGGCCCCGGCGCCAGCGCACAG	9456	AQMYGPGASAQ	14045	MYGPGAS	0.112262	-0.19133
GS1514	4868	GCCCAAGTCCTCAGAAGCAACACCCCCGCACAG	9457	AQVLRSNTPAQ	14046	VLRSNTP	0.112217	-0.12617
SyS2650	4869	GCCCAAAATAGTAGTTCTAGTAATAAGGCACAG	9458	AQNSSSSNKAQ	14047	NSSSSNK	0.112213	-0.20989
SyS2652	4870	GCCCAAAGCACCGAAAAAGCACCAGCGCACAG	9459	AQSTEKSTSAQ	14048	STEKSTS	0.11211	-0.0765
GS1516	4871	GCCCAAAACACCAACGGCAACAAAGGCGCACAG	9460	AQNTNGNKGAQ	14049	NTNGNKG	0.112014	-0.18149
GP205	4872	GCCCAAATTACGACTAATCTGGGGGCGGCACAG	9461	AQITTNLGAAQ	14050	ITTNLGA	0.111979	-0.07377
GS1517	4873	GCCCAAATCCAAAAACCCCAAAGCAGCGCACAG	9462	AQIQKPQSSAQ	14051	IQKPQSS	0.111935	-0.18457

도면33ep

SyS2654	4874	GCCCAAGTGAGGGATGCGGCTTATACGGCACAG	9463	AQVRDAAYTAQ	14052	VRDAAYT	0.111823	-0.18614
GS1519	4875	GCCCAAGCCAGAAGCAGCACCGGCGCCGCACAG	9464	AQARSSTGAAQ	14053	ARSSTGA	0.111751	-0.17291
GP206	4876	GCCCAAACGTCTGTTCATAATAAGGTTGCACAG	9465	AQTSVHNKVAQ	14054	TSVHNKV	0.11171	-0.06996
SyS2655	4877	GCCCAAACTATTTCGACTCATGGTACTGCACAG	9466	AQTISTHGTAQ	14055	TISTHGT	0.111706	-0.16951
SyS2657	4878	GCCCAAACCGTCACCAACATCAACTTCGCACAG	9467	AQTVTNINFAQ	14056	TVTNINF	0.111589	-0.22434
SyS2658	4879	GCCCAAAGCATCAACAGCAACCACATCGCACAG	9468	AQSINSNHIAQ	14057	SINSNHI	0.111382	-0.1198
SyS2659	4880	GCCCAACAAAAAGCCGGCTACAGCAACGCACAG	9469	AQQKAGYSNAQ	14058	QKAGYSN	0.111146	0.158487
SyS2660	4881	GCCCAAGCCAGAGACACCGTCAGAACCGCACAG	9470	AQARDTVRTAQ	14059	ARDTVRT	0.111115	-0.17557
SyS2661	4882	GCCCAATATAAGGATCAGACGAAGGTTGCACAG	9471	AQYKDQTKVAQ	14060	YKDQTKV	0.11098	-0.20955
SyS2662	4883	GCCCAAAACATCGGCCTCAACCCCATGGCACAG	9472	AQNIGLNPMAQ	14061	NIGLNPM	0.11098	-0.20955
SyS2663	4884	GCCCAAGGCAGCACCAACATGATCTACGCACAG	9473	AQGSTNMIYAQ	14062	GSTNMIY	0.110958	-0.1207
GS1521	4885	GCCCAAATCGACGCCAAAGGCCTCAAAGCACAG	9474	AQIDAKGLKAQ	14063	IDAKGLK	0.110926	-0.10224
SyS2664	4886	GCCCAAGTCGTCAGCCACAACCTCACCGCACAG	9475	AQVVSHNLTAQ	14064	VVSHNLT	0.110909	-0.18405
GS1522	4887	GCCCAAACTGTGTCTCTGAAGACTGCGGCACAG	9476	AQTVSLKTAAQ	14065	TVSLKTA	0.110728	-0.18368
GS1523	4888	GCCCAATACAGCGGCAGCAACTACCACGCACAG	9477	AQYSGSNYHAQ	14066	YSGSNYH	0.110728	-0.18368
SyS2665	4889	GCCCAACCGAGTGATGCTACGATGGGGGCACAG	9478	AQPSDATMGAQ	14067	PSDATMG	0.110688	-0.14003
SyS2666	4890	GCCCAATGGGGGGAGACTACGAATGGTGCACAG	9479	AQWGETTNGAQ	14068	WGETTNG	0.110488	-0.15497
GP207	4891	GCCCAAAATTATCATAAGACGATGCCGGCACAG	9480	AQNYHKTMPAQ	14069	NYHKTMP	0.110443	-0.07301
SyS2667	4892	GCCCAAGCCAGACACGAACTCCCCGTCGCACAG	9481	AQARHELPVAQ	14070	ARHELPV	0.110199	-0.18491
SyS2668	4893	GCCCAACACAACCTCACCAGAAACCTCGCACAG	9482	AQHNLTRNLAQ	14071	HNLTRNL	0.110124	0.296664
GS1526	4894	GCCCAAGGTCCGCAGATTGGTACGGTGGCACAG	9483	AQGPQIGTVAQ	14072	GPQIGTV	0.109435	-0.13719
SyS2670	4895	GCCCAAATGAGAGCCGACAGCAACGTCGCACAG	9484	AQMRADSNVAQ	14073	MRADSNV	0.108975	0.017461
SyS2671	4896	GCCCAAGTCGCCAACGGCCCCACCACCGCACAG	9485	AQVANGPTTAQ	14074	VANGPTT	0.108861	-0.11592
GS1528	4897	GCCCAAACCAAAAACCTCAACACCTACGCACAG	9486	AQTKNLNTYAQ	14075	TKNLNTY	0.108797	-0.17291
GS1529	4898	GCCCAAGACAGACTCGGCGCCAGAAGCGCACAG	9487	AQDRLGARSAQ	14076	DRLGARS	0.108797	-0.16432
SyS2672	4899	GCCCAAAACATCGGCAGCGGCCAAAAAGCACAG	9488	AQNIGSGQKAQ	14077	NIGSGQK	0.108746	-0.19107
GP208	4900	GCCCAAGGTAGGGAGATGACGAATCCGGCACAG	9489	AQGREMTNPAQ	14078	GREMTNP	0.108745	-0.07363
SyS2674	4901	GCCCAAATTATGGCTGCTGGCATTCGGCACAG	9490	AQIMAAAHSAQ	14079	IMAAAHS	0.108479	-0.15859
SyS2675	4902	GCCCAAAGCGACCAAAGAATCCACCCCGCACAG	9491	AQSDQRIHPAQ	14080	SDQRIHP	0.108479	-0.15859
SyS2676	4903	GCCCAAGTTTCTGGTCAGACGAATATGGCACAG	9492	AQVSGQTNMAQ	14081	VSGQTNM	0.108381	-0.21072
SyS2677	4904	GCCCAATACAGCCTCGGCAGCGAACCCGCACAG	9493	AQYSLGSEPAQ	14082	YSLGSEP	0.10832	-0.19981
SyS2678	4905	GCCCAATCTACGCTGAAGGCTCTGACGGCACAG	9494	AQSTLKALTAQ	14083	STLKALT	0.108295	-0.16397

도면33eq

SyS2679	4906	GCCCAAAGCGCCCTCATCCCCAGCCCCGCACAG	9495	AQSALIPSPAQ	14084	SALIPSP	0.108266	-0.1889
GS1530	4907	GCCCAAACCAGCCAAGCCGGCAACCAAGCACAG	9496	AQTSQAGNQAQ	14085	TSQAGNQ	0.108221	-0.05787
GS1531	4908	GCCCAAAAACACGCCAGCCTCCCCATCGCACAG	9497	AQKHASLPIAQ	14086	KHASLPI	0.108122	-0.15676
GS1532	4909	GCCCAACTCGACCAACTCACCAAAAACGCACAG	9498	AQLDQLTKNAQ	14087	LDQLTKN	0.108122	-0.15676
SyS2680	4910	GCCCAAATGGCCAGAAGCACCGACAGAGCACAG	9499	AQMARSTDRAQ	14088	MARSTDR	0.108107	-0.14526
SyS2681	4911	GCCCAAAGTTATAATCATATTGAGAAGGCACAG	9500	AQSYNHIEKAQ	14089	SYNHIEK	0.108002	-0.23012
SS193	4912	GCCCAAGTCAACCACATCCAACCCATGGCACAG	9501	AQVNHIQPMAQ	14090	VNHIQPM	0.107975	-0.33355
GS1533	4913	GCCCAAAGCAGAGCCGAACCCAAACTCGGCACAG	9502	AQSRAEPKLAQ	14091	SRAEPKL	0.10781	-0.16394
GS1534	4914	GCCCAAGCCAGCCACATCGGCAACAGCGCACAG	9503	AQASHIGNSAQ	14092	ASHIGNS	0.107759	-0.18637
SyS2682	4915	GCCCAACATCAGGGTTTGCGAGTGCTGCACAG	9504	AQHQGFASAAQ	14093	HQGFASA	0.107489	0.012345
SyS2684	4916	GCCCAAGAGGGTAAGTCTATTATGCCGGCACAG	9505	AQEGKSIMPAQ	14094	EGKSIMP	0.107301	-0.20709
SyS2685	4917	GCCCAACTCACCGGCATGCACAGCACCGCACAG	9506	AQLTGMHSTAQ	14095	LTGMHST	0.107301	-0.20709
SyS2686	4918	GCCCAAAGTAATCCTAGTACTATTCATGCACAG	9507	AQSNPSTIHAQ	14096	SNPSTIH	0.107232	-0.12873
SyS2688	4919	GCCCAAAGCAGAGACCAACCCACCAGCGCACAG	9508	AQSRDQPTSAQ	14097	SRDQPTS	0.107118	-0.18163
SyS2689	4920	GCCCAAAAAACCGCCGAACCCTACACCGCACAG	9509	AQKTAEPYTAQ	14098	KTAEPYT	0.107074	-0.18491
SyS2690	4921	GCCCAAATTGGTTCTAATCCTGATAAGGCACAG	9510	AQIGSNPDKAQ	14099	IGSNPDK	0.107034	-0.21436
SyS2691	4922	GCCCAACTCGCCAGCACCTTCAGCCCCGCACAG	9511	AQLASTFSPAQ	14100	LASTFSP	0.107031	-0.17998
SyS2692	4923	GCCCAACTTGTTAGGCTTAATACTTCTGCACAG	9512	AQLVRLNTSAQ	14101	LVRLNTS	0.106997	-0.22527
SyP76	4924	GCCCAATTTCAGGATCTGCGTGCGCAAGCACAG	9513	AQFQDLRAQAQ	14102	FQDLRAQ	0.10698	-0.03979
GS1537	4925	GCCCAAATCAGCCACAGCCCCCAAACCGCACAG	9514	AQISHSPQTAQ	14103	ISHSPQT	0.106884	-0.171
SyS2693	4926	GCCCAATTCCAAGACGGCCAAAGAGAAGCACAG	9515	AQFQDGQREAQ	14104	FQDGQRE	0.106797	-0.11297
SyS2694	4927	GCCCAAGACACCAGAGAAGCCTTCAGAGCACAG	9516	AQDTREAFRAQ	14105	DTREAFR	0.106757	-0.1792
SyS2695	4928	GCCCAATTGGTTGCTGATGCGCGTCCTGCACAG	9517	AQLVADARPAQ	14106	LVADARP	0.106656	-0.20103
GS1540	4929	GCCCAAAGCTTCAGCAGCGGCGCCGGCGCACAG	9518	AQSFSSGAGAQ	14107	SFSSGAG	0.10653	-0.08043
SyS2696	4930	GCCCAAGATGTGTTGACTGGGAAGAGTGCACAG	9519	AQDVLTGKSAQ	14108	DVLTGKS	0.106522	-0.15496
SyS2697	4931	GCCCAAAAGATGGTGTTGAATAATGCTGCACAG	9520	AQKMVLNNAAQ	14109	KMVLNNA	0.106481	-0.17225
SyS2698	4932	GCCCAACGGAAGATTGATACGATGTCTGCACAG	9521	AQRKIDTMSAQ	14110	RKIDTMS	0.106265	-0.13872
GS1541	4933	GCCCAAATGTCTCAGGTGATTACTGGGGCACAG	9522	AQMSQVITGAQ	14111	MSQVITG	0.106232	-0.1439
GP212	4934	GCCCAAACGTATGATACGCGGAATACTGCACAG	9523	AQTYDTRNTAQ	14112	TYDTRNT	0.106211	-0.06295
SyS2699	4935	GCCCAATATAGGGATGGTTCGGGTAGTGCACAG	9524	AQYRDGSGSAQ	14113	YRDGSGS	0.105987	0.014681
GS1542	4936	GCCCAAGGGAATATTAGTCCTGCGGGGGCACAG	9525	AQGNISPAGAQ	14114	GNISPAG	0.105627	-0.18149
SyS2700	4937	GCCCAAAAGCCGGCCTCGGCCTCAGCGCACAG	9526	AQKAGLGLSAQ	14115	KAGLGLS	0.105529	-0.21571

도면33er

GP214	4938	GCCCAACGTCATGTGGAGAAGGATACTGCACAG	9527	AQRHVEKDTAQ	14116	RHVEKDT	0.105492	-0.07433
GS1543	4939	GCCCAAAAAGAAGTCAGAGCCAACGCCGCACAG	9528	AQKEVRANAAQ	14117	KEVRANA	0.105404	-0.15764
SyS2701	4940	GCCCAAGAGAGTAAGCCTCTTCCTGCGGCACAG	9529	AQESKPLPAAQ	14118	ESKPLPA	0.105201	-0.21557
SyS2702	4941	GCCCAAACGTTGAGTCATAATAGTATGGCACAG	9530	AQTLSHNSMAQ	14119	TLSHNSM	0.105046	0.006619
SyS2703	4942	GCCCAAGTCGGCAGCTACACCGTCAGCGCACAG	9531	AQVGSYTVSAQ	14120	VGSYTVS	0.105013	-0.22649
SyS2704	4943	GCCCAACAAAGCGCCACCAGCCTCACCGCACAG	9532	AQQSATSLTAQ	14121	QSATSLT	0.104841	-0.06501
GS1546	4944	GCCCAACACGCCAACGGCCTCAGAGACGCACAG	9533	AQHANGLRDAQ	14122	HANGLRD	0.104497	-0.15955
GS1547	4945	GCCCAAAGAATGAGCCACGACAGCCCCGCACAG	9534	AQRMSHDSPAQ	14123	RMSHDSP	0.104494	-0.18637
SyS2705	4946	GCCCAAAAGCATAGTGGTCTTGAGTCTGCACAG	9535	AQKHSGLESAQ	14124	KHSGLES	0.104319	-0.17314
SyS2707	4947	GCCCAAAAACTCAGCACCGCCATCGAAGCACAG	9536	AQKLSTAIEAQ	14125	KLSTAIE	0.103851	-0.06923
SyS2708	4948	GCCCAAAACAGCAAACAACTCCTCCTCGCACAG	9537	AQNSKQLLLAQ	14126	NSKQLLL	0.10377	-0.20709
SyS2709	4949	GCCCAATCGCTTCATAATAATCGTGTGGCACAG	9538	AQSLHNNRVAQ	14127	SLHNNRV	0.103655	-0.12587
SyS2710	4950	GCCCAAAGCGCCGACAGAAGCATCACCGCACAG	9539	AQSADRSITAQ	14128	SADRSIT	0.103582	-0.14162
SyS2711	4951	GCCCAACCCACCGGCAGACCCCAAGAAGCACAG	9540	AQPTGRPQFAQ	14129	PTGRPQF	0.103492	-0.1792
SyS2712	4952	GCCCAAAAGACTGTTCAGGAGCCTTTGGCACAG	9541	AQKTVQEPLAQ	14130	KTVQEPL	0.10347	-0.22926
SyS2715	4953	GCCCAAAGCACCAAAGCCCTCAGCAACGCACAG	9542	AQSTKALSNAQ	14131	STKALSN	0.103085	-0.13677
GS1551	4954	GCCCAAAGCAACCAAAGCACCAGAAGCGCACAG	9543	AQSNQSTRSAQ	14132	SNQSTRS	0.103015	-0.15138
SyS2716	4955	GCCCAAGGTGTTGAGGGGAGTTCGCGGGCACAG	9544	AQGVEGSSRAQ	14133	GVEGSSR	0.102975	-0.21436
SyS2717	4956	GCCCAACTCCACCAAGGCCCCAGCAGCGCACAG	9545	AQLHQGPSSAQ	14134	LHQGPSS	0.102855	-0.099
GS1552	4957	GCCCAAGTCGACAGCAGAAACGTCGTCGCACAG	9546	AQVDSRNVVAQ	14135	VDSRNVV	0.102836	-0.118
SyS2718	4958	GCCCAACTTGGGAAGCAGACGGCTTTGGCACAG	9547	AQLGKQTALAQ	14136	LGKQTAL	0.102831	-0.1615
SyS2719	4959	GCCCAAAGCGGCAACAGAACCAACATGGCACAG	9548	AQSGNRTNMAQ	14137	SGNRTNM	0.102775	0.06214
GS1553	4960	GCCCAAGTCAAAGGCTACGCCAGCACCGCACAG	9549	AQVKGYASTAQ	14138	VKGYAST	0.102753	-0.16051
SyS2720	4961	GCCCAAGCTTCTGTTAGTTCGTCGAGTGCACAG	9550	AQASVSSSSAQ	14139	ASVSSSS	0.102658	0.00519
SyS2722	4962	GCCCAACTCCAACTCAAAAGCGGCATGGCACAG	9551	AQLQLKSGMAQ	14140	LQLKSGM	0.102481	-0.07053
SyS2723	4963	GCCCAAGATATGCGTGCGTCTGGGAGTGCACAG	9552	AQDMRASGSAQ	14141	DMRASGS	0.102358	-0.19107
GP216	4964	GCCCAATTGACTGCTACGCTGCCTTATGCACAG	9553	AQLTATLPYAQ	14142	LTATLPY	0.102226	-0.0676
GS1555	4965	GCCCAAAGTAATGCTCCTAATTCGTATGCACAG	9554	AQSNAPNSYAQ	14143	SNAPNSY	0.102094	-0.10049
SyS2726	4966	GCCCAAAAAGTCGAAAGCAGCAGAGCCGCACAG	9555	AQKVESSRAAQ	14144	KVESSRA	0.102054	-0.20586
GS1556	4967	GCCCAATGGAGCAACAGCACCACCGTCGCACAG	9556	AQWSNSTTVAQ	14145	WSNSTTV	0.10196	-0.17381
GP217	4968	GCCCAATCTCTTATTCATACGCGTCCTGCACAG	9557	AQSLIHTRPAQ	14146	SLIHTRP	0.101865	-0.0719
SyS2727	4969	GCCCAAACGCTTTCTAGTCCTCATAATGCACAG	9558	AQTLSSPHNAQ	14147	TLSSPHN	0.101849	-0.22042

도면33es

SyS2728	4970	GCCCAAGTGCCTAGGTTTAATGGTAATGCACAG	9559	AQVPRFNGNAQ	14148	VPRFNGN	0.101797	-0.16466
GS1557	4971	GCCCAATTCAACCACAGCGGCAGCGGCGCACAG	9560	AQFNHSGSGAQ	14149	FNHSGSG	0.101435	-0.14048
SyS2731	4972	GCCCAATGGGTCGACACCAACAGCAAAGCACAG	9561	AQWVDTNSKAQ	14150	WVDTNSK	0.101312	-0.23296
SyS2732	4973	GCCCAACATTCGGATGGTTCTAGGCTTGCACAG	9562	AQHSDGSRLAQ	14151	HSDGSRL	0.101267	-0.20224
SyS2734	4974	GCCCAAAGGCAGGCGGTTCAGACTTCTGCACAG	9563	AQRQAVQTSAQ	14152	RQAVQTS	0.101257	-0.17259
GS1558	4975	GCCCAAATGCACAGCGGCATCCCCACCGCACAG	9564	AQMHSGIPTAQ	14153	MHSGIPT	0.101243	-0.171
SyS2735	4976	GCCCAAGTGAAGGATCAGGGGCGTTCTGCACAG	9565	AQVKDQGRSAQ	14154	VKDQGRS	0.101228	-0.11222
GS1559	4977	GCCCAAAGACCCACCCTCAGCAACCAAGCACAG	9566	AQRPTLSNQAQ	14155	RPTLSNQ	0.101216	-0.18368
SyS2736	4978	GCCCAAGTCAGCAAAAGCGCCGCCCTCGCACAG	9567	AQVSKSAALAQ	14156	VSKSAAL	0.101086	0.020684
GS1560	4979	GCCCAAAAGGATAGTCATCTGTCGTCGGCACAG	9568	AQKDSHLSSAQ	14157	KDSHLSS	0.101076	-0.10167
GS1561	4980	GCCCAAGTCGGCGTCAGAATGACCGGCGCACAG	9569	AQVGVRMTGAQ	14158	VGVRMTG	0.101055	-0.1756
SyS2737	4981	GCCCAAGCTGATCGGCTTTGAATTCGGCACAG	9570	AQADRLLNSAQ	14159	ADRLLNS	0.100992	-0.22891
GS1563	4982	GCCCAAGGCAGCGAACTCAGAACCGGCGCACAG	9571	AQGSELRTGAQ	14160	GSELRTG	0.100602	-0.16718
SyS2741	4983	GCCCAAATGAAACTCAGCACCAGCAGCGCACAG	9572	AQMKLSTSSAQ	14161	MKLSTSS	0.100379	-0.20462
SyS2742	4984	GCCCAACAAGCCTACAACATCGTCCCCGCACAG	9573	AQQAYNIVPAQ	14162	QAYNIVP	0.100369	-0.19496
GS1564	4985	GCCCAAGTCGGCGGCAACATCAGAACCGCACAG	9574	AQVGGNIRTAQ	14163	VGGNIRT	0.100363	-0.18245
SyS2744	4986	GCCCAAAGTTATCAGCAGACGTTGGGGGCACAG	9575	AQSYQQTLGAQ	14164	SYQQTLG	0.100031	-0.21448
SyS2745	4987	GCCCAAATGAGACCCACCCCCACCGACGCACAG	9576	AQMRPTPTDAQ	14165	MRPTPTD	0.099936	-0.22164
GS1565	4988	GCCCAAAGGAAGGCGAATGATCTGAATGCACAG	9577	AQRKANDLNAQ	14166	RKANDLN	0.099903	-0.14779
SyS2746	4989	GCCCAAATCAGCGGCACCGCCAGCACCGCACAG	9578	AQISGTASTAQ	14167	ISGTAST	0.099888	-0.17136
GS1566	4990	GCCCAATACGTCCAACTCAACAACGCCGCACAG	9579	AQYVQLNNAAQ	14168	YVQLNNA	0.099805	-0.09965
SyS2747	4991	GCCCAAACCGAAAAAGGCTGGGGCCCCGCACAG	9580	AQTEKGWGPAQ	14169	TEKGWGP	0.099789	-0.0324
GP219	4992	GCCCAATCTCCGCAGAGGCATAATAGTGCACAG	9581	AQSPQRHNSAQ	14170	SPQRHNS	0.099622	-0.07162
SyS2748	4993	GCCCAATACACCCACATGACCGAAAGAGCACAG	9582	AQYTHMTERAQ	14171	YTHMTER	0.099615	-0.13451
SyS2749	4994	GCCCAAGATCGGTCTATGCAGCAGGCTGCACAG	9583	AQDRSMQQAAQ	14172	DRSMQQA	0.099482	-0.12465
GS1568	4995	GCCCAAGACACCATGAACGCCATGAGAGCACAG	9584	AQDTMNAMRAQ	14173	DTMNAMR	0.099158	-0.18188
SyS2750	4996	GCCCAACTCAAACCCGGCCACATGGTCGCACAG	9585	AQLKPGHMVAQ	14174	LKPGHMV	0.099141	-0.19353
GS1570	4997	GCCCAACAATTCAACAGCAAAGACACCGCACAG	9586	AQQFNSKDTAQ	14175	QFNSKDT	0.098945	-0.04968
GS1571	4998	GCCCAATGGACCAACAGCAGACCCATGGCACAG	9587	AQWTNSRPMAQ	14176	WTNSRPM	0.098784	-0.15843
GS1572	4999	GCCCAATTGCTGACGACTTCTTCTGAGGCACAG	9588	AQLLTTSSEAQ	14177	LLTTSSE	0.098761	-0.13998
SyS2752	5000	GCCCAACAGCGTGCTTCTTCTGGTTCTGCACAG	9589	AQQRASSGSAQ	14178	QRASSGS	0.098675	-0.14647
SyS2753	5001	GCCCAACCCAAAGAAAGCAACAACATGGCACAG	9590	AQPKESNNMAQ	14179	PKESNNM	0.098625	-0.2277

도면33et

SyS2754	5002	GCCCAAGCCAAACACGTCGCCACCGAAGCACAG	9591	AQAKHVATEAQ	14180	AKHVATE	0.098546	-0.17013
GS1573	5003	GCCCAAACTCAGTCGAGTACGTATTCGGCACAG	9592	AQTQSSTYSAQ	14181	TQSSTYS	0.098504	-0.18054
SyS2755	5004	GCCCAACCCAGAACCAGCACCAACATCGCACAG	9593	AQPRTSTNIAQ	14182	PRTSTNI	0.098455	-0.17259
GS1574	5005	GCCCAAAGACTCGCCAGCAACAGCGACGCACAG	9594	AQRLASNSDAQ	14183	RLASNSD	0.098382	-0.11377
SyS2759	5006	GCCCAAGGCCCCCTCCAAACCAACGCCGCACAG	9595	AQGPLQTNAAQ	14184	GPLQTNA	0.098167	-0.21571
SyS2760	5007	GCCCAAAAAGTCAGCGCCATGAGCGACGCACAG	9596	AQKVSAMSDAQ	14185	KVSAMSD	0.098115	-0.17314
SyS2763	5008	GCCCAAGCTGGGAAGTATGTTAATTCTGCACAG	9597	AQAGKYVNSAQ	14186	AGKYVNS	0.09743	-0.218
GS1578	5009	GCCCAACCCAAAAGCGGCAGCCCCAGCGCACAG	9598	AQPKSGSPSAQ	14187	PKSGSPS	0.097428	-0.16663
SyS2764	5010	GCCCAATTTATTTCTAATGGGAGTTCGGCACAG	9599	AQFISNGSSAQ	14188	FISNGSS	0.097369	-0.19981
SyS2766	5011	GCCCAAAATCTGAATGCGATGCATAAGGCACAG	9600	AQNLNAMHKAQ	14189	NLNAMHK	0.097204	-0.1336
SyS2767	5012	GCCCAAGAGTCGCATGCGCGGGAGGGGGCACAG	9601	AQESHAREGAQ	14190	ESHAREG	0.097196	-0.23376
GS1579	5013	GCCCAAACTGTGGTTGGGGGTTAGGGGTGCACAG	9602	AQTVVGVRGAQ	14191	TVVGVRG	0.097193	-0.18009
SyS2768	5014	GCCCAAGCCAAAGCCACCGTCCCCAGCGCACAG	9603	AQAKATVPSAQ	14192	AKATVPS	0.097158	-0.21557
GS1580	5015	GCCCAAACCAAAACCGTCAACATGACCGCACAG	9604	AQTKTVNMTAQ	14193	TKTVNMT	0.097046	-0.10651
SyS2770	5016	GCCCAACAAAGCAGCCTCAAACTCACCGCACAG	9605	AQQSSLKLTAQ	14194	QSSLKLT	0.096895	-0.14041
GS1583	5017	GCCCAAAACGCCCAAAGAACCGGCCCCGCACAG	9606	AQNAQRTGPAQ	14195	NAQRTGP	0.096888	-0.10782
GS1584	5018	GCCCAAAACAGAAGAGACGCCACCCCCGCACAG	9607	AQNRRDATPAQ	14196	NRRDATP	0.096778	-0.01327
SyS2771	5019	GCCCAAGGCAACCAAAACACCCTCCTCGCACAG	9608	AQGNQNTLLAQ	14197	GNQNTLL	0.096736	-0.20955
SyS2772	5020	GCCCAAACCAGAGTCAGCGGGCAGCGCCGCACAG	9609	AQTRVSGSAAQ	14198	TRVSGSA	0.096732	-0.16516
GS1585	5021	GCCCAAGTTACGACGGCGATGATGTCGGCACAG	9610	AQVTTAMMSAQ	14199	VTTAMMS	0.09673	-0.17863
SyS2773	5022	GCCCAAGACAGAACCCCCATCGCCCACGCACAG	9611	AQDRTPIAHAQ	14200	DRTPIAH	0.096605	-0.22891
SyS2774	5023	GCCCAACTCCCCCTCAACAGCAGACCCGCACAG	9612	AQLPLNSRPAQ	14201	LPLNSRP	0.096472	-0.00342
GS1586	5024	GCCCAACCGCAGGCTTCGCAGGCTAATGCACAG	9613	AQPQASQANAQ	14202	PQASQAN	0.096411	-0.15209
GS1587	5025	GCCCAAACGGGCGAGGAATGTTCCTAATGCACAG	9614	AQTARNVPNAQ	14203	TARNVPN	0.09629	-0.1101
SyS2777	5026	GCCCAACTCAACGGCATCCTCAGCCAAGCACAG	9615	AQLNGILSQAQ	14204	LNGILSQ	0.096081	0.102848
SyS2778	5027	GCCCAACTGCAGGATAAGACTCTTAATGCACAG	9616	AQLQDKTLNAQ	14205	LQDKTLN	0.096058	-0.22406
GS1588	5028	GCCCAATATCGGGGTGAGAATAATCCTGCACAG	9617	AQYRGENNPAQ	14206	YRGENNP	0.095988	-0.18727
SyS2779	5029	GCCCAAGTCAACAAACAACTCAACAGCGCACAG	9618	AQVNKQLNSAQ	14207	VNKQLNS	0.095982	-0.13932
SyS2780	5030	GCCCAAGTCCTCAAAGACGACGGCCACGCACAG	9619	AQVLKDDGHAQ	14208	VLKDDGH	0.095976	-0.09007
SyS2781	5031	GCCCAAACTCGGGGGGAGGTTTCGCTGGCACAG	9620	AQTRGEVSLAQ	14209	TRGEVSL	0.095937	-0.16766
SyS2782	5032	GCCCAAGAGTTTCAGAGGATGCATCCGGCACAG	9621	AQEFQRMHPAQ	14210	EFQRMHP	0.095928	-0.20345
SyS2783	5033	GCCCAAATCAGCCCATGAGCACCAGCGCACAG	9622	AQISPMSTSAQ	14211	ISPMSTS	0.095846	-0.14405

도면33eu

SyS2784	5034	GCCCAACTCGGCCACGACCACGCCACGCACAG	9623	AQLGHDHATAQ	14212	LGHDHAT	0.0958	-0.22164
GS1590	5035	GCCCAACTCAGCCCCGGCCCCCAACAAGCACAG	9624	AQLSPGPQQAQ	14213	LSPGPQQ	0.095745	-0.1771
GP221	5036	GCCCAAAAGTTTAGGGGGGGAGGAGCCTGCACAG	9625	AQKFRGEEPAQ	14214	KFRGEEP	0.095692	-0.06711
GS1591	5037	GCCCAACAGGGTTCTCGTCTGGCTTCGGCACAG	9626	AQQGSRLASAQ	14215	QGSRLAS	0.095684	-0.16753
SyS2786	5038	GCCCAATGGGAGCGTTCTCAGTTGTCTGCACAG	9627	AQWERSQLSAQ	14216	WERSQLS	0.095581	-0.20093
SyS2787	5039	GCCCAACAGCAGAAGGCGGCTAATGGGGCACAG	9628	AQQQKAANGAQ	14217	QQKAANG	0.095548	-0.01243
SyS2788	5040	GCCCAATATACGCTGAGTCTGAGTAGTGCACAG	9629	AQYTLSLSSAQ	14218	YTLSLSS	0.095427	-0.20339
SyS2789	5041	GCCCAAGGCCTCATCCCCCAACAACAGCGCACAG	9630	AQGLIPNNSAQ	14219	GLIPNNS	0.095235	-0.23173
SyS2790	5042	GCCCAAAGCGTCCCCGTCAGCAGAACCGCACAG	9631	AQSVPVSRTAQ	14220	SVPVSRT	0.095224	-0.08979
SP51	5043	GCCCAAAATAAGCAGCAGTCTCAGACGGCACAG	9632	AQNKQQSQTAQ	14221	NKQQSQT	0.095031	-0.04883
SyS2792	5044	GCCCAAAGCAAACACAGCGTCCAAGTCGCACAG	9633	AQSKHSVQVAQ	14222	SKHSVQV	0.095008	-0.01372
GS1592	5045	GCCCAAAATCGTCCTTCTCAGCAGGGGGCACAG	9634	AQNRPSQQGAQ	14223	NRPSQQG	0.094956	-0.08958
SyS2793	5046	GCCCAACAAGAATACAGAAACACCCTCGCACAG	9635	AQQEYRNTLAQ	14224	QEYRNTL	0.094903	-0.17072
SyS2794	5047	GCCCAATTCGAAAGAGACAGAATGGGCGCACAG	9636	AQFERDRMGAQ	14225	FERDRMG	0.094881	-0.19133
SyS2795	5048	GCCCAAAGCACCAGCAGCAACCTCAGCGCACAG	9637	AQSTSSNLSAQ	14226	STSSNLS	0.094566	-0.23012
SyS2796	5049	GCCCAAAGAAGCCTCGAAGGCATCGTCGCACAG	9638	AQRSLEGIVAQ	14227	RSLEGIV	0.094566	-0.23012
SyS2797	5050	GCCCAAGGCAACAGCAGACTCGACCCCGCACAG	9639	AQGNSRLDPAQ	14228	GNSRLDP	0.094522	-0.12222
GS1594	5051	GCCCAAATCGACACCATCGGCAAAGCCGCACAG	9640	AQIDTIGKAAQ	14229	IDTIGKA	0.094385	-0.15766
SyS2799	5052	GCCCAACTGGATCATACGAGTCGTGCGGCACAG	9641	AQLDHTSRAAQ	14230	LDHTSRA	0.094325	-0.18405
SyS2800	5053	GCCCAATGGGGCCAAACCAACAGCAGCGCACAG	9642	AQWGQTNSSAQ	14231	WGQTNSS	0.094236	-0.10601
GS1596	5054	GCCCAAGCGCGGGGTAATCTGTCGAGTGCACAG	9643	AQARGNLSSAQ	14232	ARGNLSS	0.094135	-0.14906
SyS2801	5055	GCCCAAGACAACATGAAACTCCACGTCGCACAG	9644	AQDNMKLHVAQ	14233	DNMKLHV	0.094093	-0.22527
SyS2802	5056	GCCCAAGAAAAAACCCAACAAAGCTACGCACAG	9645	AQEKTQQSYAQ	14234	EKTQQSY	0.094009	-0.08103
GS1597	5057	GCCCAATCGAATGGTTTGGCGCGGAATGCACAG	9646	AQSNGLARNAQ	14235	SNGLARN	0.093844	-0.16118
GS1598	5058	GCCCAAGTCGTCAGCCACAGACCCGCCGCACAG	9647	AQVVSHRPAAQ	14236	VVSHRPA	0.093796	-0.17112
SyS2803	5059	GCCCAAAGTTTGGGTGTTAGTCGGAATGCACAG	9648	AQSLGVSRNAQ	14237	SLGVSRN	0.093666	-0.06472
SyS2804	5060	GCCCAAGACCACAGCCACGGCAGAGACGCACAG	9649	AQDHSHGRDAQ	14238	DHSHGRD	0.093446	-0.218
SyP78	5061	GCCCAATCGACTCATCAGGTGGCGAATGCACAG	9650	AQSTHQVANAQ	14239	STHQVAN	0.093182	-0.0423
SyS2806	5062	GCCCAAAATCAGAGTGCGAGTAGTCGGGCACAG	9651	AQNQSASSRAQ	14240	NQSASSR	0.09291	-0.16223
SyS2807	5063	GCCCAAGTCACCGTCGGCAGCCACATGGCACAG	9652	AQVTVGSHMAQ	14241	VTVGSHM	0.092881	-0.13936
SyS2808	5064	GCCCAAAGCAGCAACATCGCCCAAAACGCACAG	9653	AQSSNIAQNAQ	14242	SSNIAQN	0.092827	-0.11131
GP222	5065	GCCCAATTGAATGAGATGGCTACTCCTGCACAG	9654	AQLNEMATPAQ	14243	LNEMATP	0.092632	-0.071

도면33ev

GS1600	5066	GCCCAAAGCACCAAAATCGAAAGAGACGCACAG	9655	AQSTKIERDAQ	14244	STKIERD	0.092384	-0.16337
SyS2811	5067	GCCCAAAACCTCGTCGACGCCAGAATCGCACAG	9656	AQNLVDARIAQ	14245	NLVDARI	0.092338	-0.20345
GS1601	5068	GCCCAATACAGCACCGGCAAAGACGCCGCACAG	9657	AQYSTGKDAAQ	14246	YSTGKDA	0.092318	-0.16663
SyS2812	5069	GCCCAAACCCAAGGCATCGTCACCAGCGCACAG	9658	AQTQGIVTSAQ	14247	TQGIVTS	0.092249	-0.22187
SyS2813	5070	GCCCAATCTTTTGGGGCTACGAGTTTGGCACAG	9659	AQSFGATSLAQ	14248	SFGATSL	0.092013	-0.22434
SyP79	5071	GCCCAAACTGCGGGGATGTCTTCGCGGGCACAG	9660	AQTAGMSSRAQ	14249	TAGMSSR	0.091732	-0.03931
SyS2815	5072	GCCCAAAGAGACAACAGCCTCATCCCCGCACAG	9661	AQRDNSLIPAQ	14250	RDNSLIP	0.091477	-0.06762
SyS2816	5073	GCCCAAAAGACTAATGCTGATTATGGGGCACAG	9662	AQKTNADYGAQ	14251	KTNADYG	0.09146	-0.13314
GS1602	5074	GCCCAAGTCAACCCCCACAGAACCATGGCACAG	9663	AQVNPHRTMAQ	14252	VNPHRTM	0.091294	-0.14811
GS1603	5075	GCCCAAGATATTCGTGGGAGGCCTACTGCACAG	9664	AQDIRGRPTAQ	14253	DIRGRPT	0.091275	-0.16528
SyS2818	5076	GCCCAACGTGAGGTTTCGAGTACTTCTGCACAG	9665	AQREVSSTSAQ	14254	REVSSTS	0.091098	-0.0482
SyS2819	5077	GCCCAAGTCAGCCAAGGCACCAGAGTCGCACAG	9666	AQVSQGTRVAQ	14255	VSQGTRV	0.091058	-0.12344
SyS2820	5078	GCCCAAAAGACGCCTATTATGCATGCGGCACAG	9667	AQKTPIMHAAQ	14256	KTPIMHA	0.090778	-0.14647
GP224	5079	GCCCAACTGGAGTCGCGGGATACGGTTGCACAG	9668	AQLESRDTVAQ	14257	LESRDTV	0.090555	-0.07426
SyS2822	5080	GCCCAAGTCCTCAACAGCAGCATGACCGCACAG	9669	AQVLNSSMTAQ	14258	VLNSSMT	0.090547	-0.22064
GS1605	5081	GCCCAATTTCGGACTGTGACGCAGGCGGCACAG	9670	AQFRTVTQAAQ	14259	FRTVTQA	0.090305	-0.15001
SyS2823	5082	GCCCAAACCGGCGCCATGAACATGACCGCACAG	9671	AQTGAMNMTAQ	14260	TGAMNMT	0.09021	0.113384
GS1606	5083	GCCCAATTGAAGACTCAGAATTATTCTGCACAG	9672	AQLKTQNYSAQ	14261	LKTQNYS	0.090046	-0.18457
GS1607	5084	GCCCAACAGAAGACGATGTTGACTGCTGCACAG	9673	AQQKTMLTAAQ	14262	QKTMLTA	0.089785	-0.10968
SyS2824	5085	GCCCAAAGTAATATTATTGGTTCGGATGCACAG	9674	AQSNIIGSDAQ	14263	SNIIGSD	0.089711	-0.20562
SyS2825	5086	GCCCAATCGGTGTCGGTTTCGAAGATGGCACAG	9675	AQSVSVSKMAQ	14264	SVSVSKM	0.089669	-0.22042
SyS2826	5087	GCCCAAGCGGCGCAGGTTTCGCATGCTGCACAG	9676	AQAAAQVSHAAQ	14265	AAQVSHA	0.089533	-0.18284
SyS2827	5088	GCCCAAATTAATGTGGTTGAGAAGGCTGCACAG	9677	AQINVVEKAAQ	14266	INVVEKA	0.089471	-0.14819
SyS2829	5089	GCCCAAATGCTCAGAGGCGACCTCCCCGCACAG	9678	AQMLRGDLPAQ	14267	MLRGDLP	0.089436	-0.18245
SyS2830	5090	GCCCAAAACCTCCCCACCATGCAACCCGCACAG	9679	AQNLPTMQPAQ	14268	NLPTMQP	0.089402	-0.21557
SyS2831	5091	GCCCAATTCCAAGACAAAATCAACAGAGCACAG	9680	AQFQDKINRAQ	14269	FQDKINR	0.089402	-0.21557
GS1609	5092	GCCCAAAGCAGACAAACCATCGAAACCGCACAG	9681	AQSRQTIETAQ	14270	SRQTIET	0.089312	-0.12392
SyS2833	5093	GCCCAACTCCACAGCAAACTCAACGGCGCACAG	9682	AQLHSKLNGAQ	14271	LHSKLNG	0.089225	-0.17557
SyS2834	5094	GCCCAAACCCCCAGCGCCAGCAACATGGCACAG	9683	AQTPSASNMAQ	14272	TPSASNM	0.089132	-0.23296
GS1611	5095	GCCCAAGCTAATACGGCTATTAGGACTGCACAG	9684	AQANTAIRTAQ	14273	ANTAIRT	0.088865	-0.18637
GS1612	5096	GCCCAAAGCCCCCTACAACCAAAACAACGCACAG	9685	AQSPYNQNNAQ	14274	SPYNQNN	0.088563	-0.18009
SyS2835	5097	GCCCAATCGGGGAAGCAGCAGACGACTGCACAG	9686	AQSGKQQTTAQ	14275	SGKQQTT	0.088368	-0.06888

도면33ew

SyS2837	5098	GCCCAAAATCTTCCGGTGCAGGGGAGTGCACAG	9687	AQNLPVQGSAQ	14276	NLPVQGS	0.088146	-0.00262
SyS2838	5099	GCCCAACCCAACCTCACCACCGAAAGAGCACAG	9688	AQPNLTTERAQ	14277	PNLTTER	0.088109	-0.05808
GP227	5100	GCCCAAGCTAGTCTTGTTAATACTGCTGCACAG	9689	AQASLVNTAAQ	14278	ASLVNTA	0.088065	-0.06829
SyS2839	5101	GCCCAATCTACTGCGGGGGATACTCGGGCACAG	9690	AQSTAGDTRAQ	14279	STAGDTR	0.088063	-0.14531
GS1613	5102	GCCCAACTCAGAGACACCAGAACCGACGCACAG	9691	AQLRDTRTDAQ	14280	LRDTRTD	0.087948	-0.1433
GS1614	5103	GCCCAACTCCAACAAGCCCAACCCCAAGCACAG	9692	AQLQQAQPQAQ	14281	LQQAQPQ	0.087727	-0.17919
SyS2841	5104	GCCCAATATCTCCTCATGTTACGCCTGCACAG	9693	AQYSPHVTPAQ	14282	YSPHVTP	0.087653	-0.07979
GS1615	5105	GCCCAACTCCAAATCAAAACCAGCCCCGCACAG	9694	AQLQIKTSPAQ	14283	LQIKTSP	0.087649	-0.11568
GP228	5106	GCCCAAAGGGTGCCTCCGAATCTGCAGGCACAG	9695	AQRVPPNLQAQ	14284	RVPPNLQ	0.087556	-0.0685
SyS2842	5107	GCCCAACTTGCTGAGCATCCGAAGACGGCACAG	9696	AQLAEHPKTAQ	14285	LAEHPKT	0.087554	-0.21679
SyS2843	5108	GCCCAAATTGCGGCGCGTAGTCCGTTGGCACAG	9697	AQIAARSPLAQ	14286	IAARSPL	0.087495	-0.06327
SyS2844	5109	GCCCAAAGTGGTAAGCAGCATGAGGATGCACAG	9698	AQSGKQHEDAQ	14287	SGKQHED	0.087338	-0.23173
SyS2846	5110	GCCCAAATTGGGAATCTGCAGGCGACGGCACAG	9699	AQIGNLQATAQ	14288	IGNLQAT	0.087023	-0.15011
SyS2847	5111	GCCCAACCTGATGCTTCTCAGCGGGTTGCACAG	9700	AQPDASQRVAQ	14289	PDASQRV	0.087004	-0.16283
SyS2849	5112	GCCCAAGCTGTGGATAGGATGACGCCTGCACAG	9701	AQAVDRMTPAQ	14290	AVDRMTP	0.086492	-0.04762
GP229	5113	GCCCAATTTGGGCGTGAGAAGCCGGCTGCACAG	9702	AQFGREKPAAQ	14291	FGREKPA	0.086492	-0.0728
GS1619	5114	GCCCAACTTAATAATAGGCCGCAGTTGGCACAG	9703	AQLNNRPQLAQ	14292	LNNRPQL	0.086134	-0.08574
SyS2853	5115	GCCCAAAATTTTCATGGTCGGACTGATGCACAG	9704	AQNFHGRTDAQ	14293	NFHGRTD	0.085757	-0.22042
SyS2854	5116	GCCCAAGGCGTCAGACTCAGCAGCACCGCACAG	9705	AQGVRLSSTAQ	14294	GVRLSST	0.085645	-0.17875
SyS2856	5117	GCCCAAACCGTCAACAGCCACAGACAAGCACAG	9706	AQTVNSHRQAQ	14295	TVNSHRQ	0.085229	-0.1986
SyP82	5118	GCCCAAAATAGTAATCATACGCCTAGGGCACAG	9707	AQNSNHTPRAQ	14296	NSNHTPR	0.085172	-0.04369
SyS2857	5119	GCCCAAGCCAACACCATCACCGTCGTCGCACAG	9708	AQANTITVVAQ	14297	ANTITVV	0.085083	-0.19133
GS1623	5120	GCCCAAGACGTCACCCAAAGCAAACCCGCACAG	9709	AQDVTQSKPAQ	14298	DVTQSKP	0.084872	-0.16663
TS181	5121	GCCCAAGGTAATCATGCGCGTAATCTGGCACAG	9710	AQGNHARNLAQ	14299	GNHARNL	0.084694	-0.26297
SyS2859	5122	GCCCAACACACAGAGACACCAGCATGGCACAG	9711	AQQHRDTSMAQ	14300	QHRDTSM	0.084679	-0.16708
SyS2860	5123	GCCCAACTGCAGGGTAGGCTGACGTCGGCACAG	9712	AQLQGRLTSAQ	14301	LQGRLTS	0.084645	-0.16466
SyS2861	5124	GCCCAAATTTCTATGAGGGAGCAGTCGGCACAG	9713	AQISMREQSAQ	14302	ISMREQS	0.084611	-0.16223
GS1624	5125	GCCCAAACCAGAAACTTCGACCACACCGCACAG	9714	AQTRNFDHTAQ	14303	TRNFDHT	0.084554	-0.1756
SyS2862	5126	GCCCAAGCTAGTCATCGGGGCGCAGATTGCACAG	9715	AQASHRAQIAQ	14304	ASHRAQI	0.084508	-0.06218
GP232	5127	GCCCAAAATCAGCAGAGTCCTCATAAGGCACAG	9716	AQNQQSPHKAQ	14305	NQQSPHK	0.084412	-0.06961
SyS2863	5128	GCCCAAAGGCCGGGGGAGTCGAATCCTGCACAG	9717	AQRPGESNPAQ	14306	RPGESNP	0.084402	-0.08538
SyS2864	5129	GCCCAAGCGCGTGATAGTAGTATTATGGCACAG	9718	AQARDSSIMAQ	14307	ARDSSIM	0.084397	-0.09353

도면33ex

GS1625	5130	GCCCAAACCGGCATGAGCACCCAAGTCGCACAG	9719	AQTGMSTQVAQ	14308	TGMSTQV	0.084373	-0.1586
SyS2865	5131	GCCCAAATGGGTGTGAAGGCGGATATTGCACAG	9720	AQMGVKADIAQ	14309	MGVKADI	0.084327	0.025771
SyS2866	5132	GCCCAACAATTCAAAGGCATCACCCAAGCACAG	9721	AQQFKGITQAQ	14310	QFKGITQ	0.084326	-0.01044
SyS2867	5133	GCCCAACACAACAAGCCCCACCCACGCACAG	9722	AQHNNSPTHAQ	14311	HNNSPTH	0.084074	-0.23618
SyS2868	5134	GCCCAAGACAGCAACTTCACCAGCGCCGCACAG	9723	AQDSNFTSAAQ	14312	DSNFTSA	0.083991	-0.23133
SyP83	5135	GCCCAAGCGGTTCCGCATATGGGTACGGCACAG	9724	AQAVPHMGTAQ	14313	AVPHMGT	0.083983	-0.04282
SyS2869	5136	GCCCAAGTCGTCAGCCCCAACCTCATGGCACAG	9725	AQVVSPNLMAQ	14314	VVSPNLM	0.083952	-0.22891
SyS2870	5137	GCCCAACCCTTCCCCAAAACCCTCGACGCACAG	9726	AQPFPKTLDAQ	14315	PFPKTLD	0.08395	-0.19353
GP233	5138	GCCCAACAGAGTGCGGGTCTTGCGGAGGCACAG	9727	AQQSAGLAEAQ	14316	QSAGLAE	0.083906	-0.07245
GS1627	5139	GCCCAAGGCAAAGCCCACGACCTCGCCGCACAG	9728	AQGKAHDLAAQ	14317	GKAHDLA	0.083898	-0.17672
GS1629	5140	GCCCAACAAAGAATCAGCACCAACGCCGCACAG	9729	AQQRISTNAAQ	14318	QRISTNA	0.083603	-0.08402
SyS2872	5141	GCCCAATGGCTCACCACCGGCAGCAGCCGCACAG	9730	AQWLTTGSSAQ	14319	WLTTGSS	0.083427	-0.22064
SyS2873	5142	GCCCAATACAGAGCCCAAGGCCCCCTCGCACAG	9731	AQYRAQGPLAQ	14320	YRAQGPL	0.083416	-0.18284
SyS2874	5143	GCCCAAGTGATGAAGAGGTATGATGAGGCACAG	9732	AQVMKRYDEAQ	14321	VMKRYDE	0.083375	-0.17799
GS1631	5144	GCCCAACTCGAATACAGCCAAAGAGACGCACAG	9733	AQLEYSQRDAQ	14322	LEYSQRD	0.083359	-0.18368
SyS2876	5145	GCCCAACTCCAAAAAGTCCACCTCGGCGCACAG	9734	AQLQKVHLGAQ	14323	LQKVHLG	0.083283	-0.16587
GP234	5146	GCCCAACGTTCTCATTCGCATCCTTCGGCACAG	9735	AQRSHSHPSAQ	14324	RSHSHPS	0.083166	-0.07405
SyS2878	5147	GCCCAACACACCTTCACCAGCACCGGCGCACAG	9736	AQHTFTSTGAQ	14325	HTFTSTG	0.082801	-0.06161
GS1632	5148	GCCCAATCTGTTGGTAGTGGTCCTGGTGCACAG	9737	AQSVGSGPGAQ	14326	SVGSGPG	0.082658	-0.1765
SyS2880	5149	GCCCAACAAAGCTTCAACGGCAGCAACGCACAG	9738	AQQSFNGSNAQ	14327	QSFNGSN	0.08265	-0.22557
SyS2881	5150	GCCCAAGTCACCGCCATCAGAGGCGCCGCACAG	9739	AQVTAIRGAAQ	14328	VTAIRGA	0.082407	-0.14105
GS1634	5151	GCCCAATTGGGGAAGACGTCTTATAGTGCACAG	9740	AQLGKTSYSAQ	14329	LGKTSYS	0.082225	-0.12353
GS1636	5152	GCCCAAAGTACGATGGCGATGGCTTCTGCACAG	9741	AQSTMAMASAQ	14330	STMAMAS	0.082049	-0.13139
SyS2882	5153	GCCCAAGCTTCTGGTAGGTCTTCTGCTGCACAG	9742	AQASGRSSAAQ	14331	ASGRSSA	0.081913	-0.13556
SyS2883	5154	GCCCAAGGCAGAACCCCCGCCGTCGAAGCACAG	9743	AQGRTPAVEAQ	14332	GRTPAVE	0.081913	-0.14283
SyS2884	5155	GCCCAAGGCAGAATCGACGTCAGCAGCGCACAG	9744	AQGRIDVSSAQ	14333	GRIDVSS	0.081913	-0.16223
SyS2886	5156	GCCCAAACCCCCAAAGTCAACAGCAGCGCACAG	9745	AQTPKVNSSAQ	14334	TPKVNSS	0.081913	-0.18648
SyS2887	5157	GCCCAAAGTGTTCGGAATTCGACTACTGCACAG	9746	AQSVRNSTTAQ	14335	SVRNSTT	0.081913	-0.1986
SyS2888	5158	GCCCAAGTTAATGGTGCTCAGCAGATTGCACAG	9747	AQVNGAQQIAQ	14336	VNGAQQI	0.081913	-0.20588
SyS2889	5159	GCCCAAAACAGAGCCGAAAGCTTCAGAGCACAG	9748	AQNRAESFRAQ	14337	NRAESFR	0.081913	-0.22042
SyS2891	5160	GCCCAACACGACAGAGCCAGCGTCAGAGCACAG	9749	AQHDRASVRAQ	14338	HDRASVR	0.081913	-0.22285
GS1637	5161	GCCCAAGACAGCCCCAGCAGAGGCAGAGCACAG	9750	AQDSPSRGRAQ	14339	DSPSRGR	0.081895	-0.13812

도면33ey

GS1638	5162	GCCCAAAGCAACAACATCCACAGCAAAGCACAG	9751	AQSNNIHSKAQ	14340	SNNIHSK	0.081895	-0.13812
GS1639	5163	GCCCAAATCAACAACATCGTCATCCCCGCACAG	9752	AQINNIVIPAQ	14341	INNIVIP	0.081806	-0.18149
GS1640	5164	GCCCAAATTCGGAGTTCTGATGAGACGGCACAG	9753	AQIRSSDETAQ	14342	IRSSDET	0.081637	-0.17201
SyS2893	5165	GCCCAAAACATGCCCAGCCTCGTCGCCGCACAG	9754	AQNMPSLVAAQ	14343	NMPSLVA	0.081507	-0.07591
GP235	5166	GCCCAAAATAGGACGCTGGAGTCTATTGCACAG	9755	AQNRTLESIAQ	14344	NRTLESI	0.081383	-0.06975
SyS2894	5167	GCCCAACCCCAACACAACAACCAACCCGCACAG	9756	AQPQHNNQPAQ	14345	PQHNNQP	0.081218	-0.05341
GS1643	5168	GCCCAACTCGGCTACAACGCCCACCCCGCACAG	9757	AQLGYNAHPAQ	14346	LGYNAHP	0.080886	-0.12719
SyS2897	5169	GCCCAACTCAAACACCAATACGACGGCGCACAG	9758	AQLKHQYDGAQ	14347	LKHQYDG	0.080743	-0.13435
GS1644	5170	GCCCAACACTACAGCCCCACCAGAGAAGCACAG	9759	AQHYSPTREAQ	14348	HYSPTRE	0.08058	-0.13312
GS1646	5171	GCCCAAAGCTACAGAAGCACCAGCGACGCACAG	9760	AQSYRSTSDAQ	14349	SYRSTSD	0.080284	-0.106
SyS2898	5172	GCCCAAGTTACGCCTACTGCGGCTCTTGCACAG	9761	AQVTPTAALAQ	14350	VTPTAAL	0.080182	-0.22926
SyS2899	5173	GCCCAATTGGAGCAGCGGTATAGTTCTGCACAG	9762	AQLEQRYSSAQ	14351	LEQRYSS	0.080126	-0.21194
SyS2900	5174	GCCCAAATGAATAATATTAGGCAGTCTGCACAG	9763	AQMNNIRQSAQ	14352	MNNIRQS	0.080126	-0.21194
GS1647	5175	GCCCAAAGTAGTCGTAATGATGCTTCTGCACAG	9764	AQSSRNDASAQ	14353	SSRNDAS	0.079783	-0.10036
SyS2902	5176	GCCCAAGGCACCGACAGAAAACCCTTCGCACAG	9765	AQGTDRKPFAQ	14354	GTDRKPF	0.07975	-0.21202
SyS2903	5177	GCCCAAAGAGTCAACAAAGAAGACAGAGCACAG	9766	AQRVNKEDRAQ	14355	RVNKEDR	0.079514	-0.2231
SyS2904	5178	GCCCAAACCGGCAGAAGCCTCGCCACCGCACAG	9767	AQTGRSLATAQ	14356	TGRSLAT	0.079216	-0.16466
SyS2905	5179	GCCCAAATGAAGTCTTCGACGTCGAATGCACAG	9768	AQMKSSTSNAQ	14357	MKSSTSN	0.07906	-0.22557
GS1651	5180	GCCCAAAGACACGACCTCGCCAGCAACGCACAG	9769	AQRHDLASNAQ	14358	RHDLASN	0.078859	-0.16909
SyS2906	5181	GCCCAATTGATGGCGGTGTCTACTCCGGCACAG	9770	AQLMAVSTPAQ	14359	LMAVSTP	0.078782	-0.09648
SyS2907	5182	GCCCAAAGAGAAGGCATCTACACCCTCGCACAG	9771	AQREGIYTLAQ	14360	REGIYTL	0.078638	-0.1783
SyS2910	5183	GCCCAAGACACAAAGGCAGCCTCAGCGCACAG	9772	AQDNKGSLSAQ	14361	DNKGSLS	0.078127	-0.14438
SyS2914	5184	GCCCAAAAAGGCCAAGTCACCCAGGCGCACAG	9773	AQKGQVTHGAQ	14362	KGQVTHG	0.077531	-0.22434
SyS2915	5185	GCCCAAAGTAAGACTCTGAATAATCTTGCACAG	9774	AQSKTLNNLAQ	14363	SKTLNNL	0.077419	-0.06551
SyS2916	5186	GCCCAAAGGAATCCGCAGGTTCCTACTGCACAG	9775	AQRNPQVPTAQ	14364	RNPQVPT	0.076921	-0.2024
SS210	5187	GCCCAAAGTGCGAATGCGTCTAATACTGCACAG	9776	AQSANASNTAQ	14365	SANASNT	0.076865	-0.34975
GS1654	5188	GCCCAAGGCTACATGAAACCCGCCATCGCACAG	9777	AQGYMKPAIAQ	14366	GYMKPAI	0.076811	-0.13236
SyS2917	5189	GCCCAAAGCAGCCACGGCCCCACACCCCGCACAG	9778	AQSSHGPTPAQ	14367	SSHGPTP	0.076743	-0.15738
GS1655	5190	GCCCAAAGCACCAGAAACCCCCCCCAAGCACAG	9779	AQSTRNPPQAQ	14368	STRNPPQ	0.076738	-0.17386
GS1656	5191	GCCCAACTCAACAGAATCAACGAACAAGCACAG	9780	AQLNRINEQAQ	14369	LNRINEQ	0.076662	-0.15138
SyS2918	5192	GCCCAAGGCGCCGCCAAAAGCCAAAACGCACAG	9781	AQGAAKSQNAQ	14370	GAAKSQN	0.076533	-0.22064
SyS2919	5193	GCCCAACTCCCCACCCTCCACGGCCCCGCACAG	9782	AQLPTLHGPAQ	14371	LPTLHGP	0.076416	-0.16951

도면33ez

SyS2920	5194	GCCCAAGTCCCCAGCACCATCAAAGGCGCACAG	9783	AQVPSTIKGAQ	14372	VPSTIKG	0.076072	-0.06158
GS1658	5195	GCCCAAACGTCGTCTATGCGGGAGTCGGCACAG	9784	AQTSSMRESAQ	14373	TSSMRES	0.076046	-0.15574
SyS2921	5196	GCCCAACTCATGAGCAGCAACAAGCGCCGCACAG	9785	AQLMSSNNAAQ	14374	LMSSNNA	0.076028	0.036405
SyS2922	5197	GCCCAAGCCAAAACCCAAAGCGCCACCGCACAG	9786	AQAKTQSATAQ	14375	AKTQSAT	0.076006	-0.23173
SyS2923	5198	GCCCAAAAGGAGGGGCAGTCTAGGTATGCACAG	9787	AQKEGQSRYAQ	14376	KEGQSRY	0.076006	-0.23173
SyS2924	5199	GCCCAAAAAGTCAACAGCAGCGCCACCGCACAG	9788	AQKVNSSATAQ	14377	KVNSSAT	0.075872	-0.15657
GS1659	5200	GCCCAAAGAACCACCAGCCTCGTCGCCGCACAG	9789	AQRTTSLVAAQ	14378	RTTSLVA	0.075859	-0.16814
GS1660	5201	GCCCAAATGACTAATCAGAGTGCGCATGCACAG	9790	AQMTNQSAHAQ	14379	MTNQSAH	0.075702	-0.09086
GS1661	5202	GCCCAACCCCACATCAGAGGCGAAAACGCACAG	9791	AQPHIRGENAQ	14380	PHIRGEN	0.075512	-0.1774
SyS2925	5203	GCCCAAAGAACCCAAAGCAGCATCAGCGCACAG	9792	AQRTQSSISAQ	14381	RTQSSIS	0.075407	-0.11999
SyS2927	5204	GCCCAAATGTTTACGACGACGGGTGCGGCACAG	9793	AQMFTTTGAAQ	14382	MFTTTGA	0.075331	0.191298
GS1662	5205	GCCCAAAGCAACATCAAACTCATGGCCGCACAG	9794	AQSNIKLMAAQ	14383	SNIKLMA	0.075323	-0.15001
GS1663	5206	GCCCAATCGACTCAGGGTACTCGGGATGCACAG	9795	AQSTQGTRDAQ	14384	STQGTRD	0.075323	-0.17577
SyS2929	5207	GCCCAAATTTTGTCGGGGCGTAATGGTGCACAG	9796	AQILSGRNGAQ	14385	ILSGRNG	0.07519	-0.16587
GP238	5208	GCCCAAGGGCTGAAGGTGTCTGGGTCTGCACAG	9797	AQGLKVSGSAQ	14386	GLKVSGS	0.075124	-0.0719
GS1666	5209	GCCCAAACCGGCGCCAACCTCCCCAACGCACAG	9798	AQTGANLPNAQ	14387	TGANLPN	0.074952	-0.18368
SyS2933	5210	GCCCAATACAGCCTCAGCATGCCCAACGCACAG	9799	AQYSLSMPNAQ	14388	YSLSMPN	0.074455	-0.19846
SyS2934	5211	GCCCAAACTTTTGAGAGGAAGGCTGCGGCACAG	9800	AQTFERKAAAQ	14389	TFERKAA	0.07445	-0.18527
GS1667	5212	GCCCAACTCGGCAGAGCCAGCAGCGTCGCACAG	9801	AQLGRASSVAQ	14390	LGRASSV	0.074286	-0.18637
SyS2936	5213	GCCCAAAGAACCAAAACCAGCGACGGCGCACAG	9802	AQRTKTSDGAQ	14391	RTKTSDG	0.074203	-0.15738
SyS2937	5214	GCCCAACTCAACCCCCACCTCGGCCCCGCACAG	9803	AQLNPHLGPAQ	14392	LNPHLGP	0.074203	-0.15738
SyS2938	5215	GCCCAAATCATGCCCAACAACACCATGGCACAG	9804	AQIMPNNTMAQ	14393	IMPNNTM	0.074133	-0.1923
SyS2940	5216	GCCCAACATAAGAGTGATAGTGGTTATGCACAG	9805	AQHKSDSGYAQ	14394	HKSDSGY	0.073819	-0.10745
GS1670	5217	GCCCAAGATCGGCTGAATAAGAATAGTGCACAG	9806	AQDRLNKNSAQ	14395	DRLNKNS	0.07374	-0.03379
GS1671	5218	GCCCAAATGAGCGGCGGCAGCAGCAAAGCACAG	9807	AQMSGGSSKAQ	14396	MSGGSSK	0.073582	-0.18547
GS1673	5219	GCCCAACAGCGTGAGCAGGGGAATGCTGCACAG	9808	AQQREQGNAAQ	14397	QREQGNA	0.073506	-0.07984
SyS2941	5220	GCCCAAGGTGGTGGTAATGTGACGTCGGCACAG	9809	AQGGGNVTSAQ	14398	GGGNVTS	0.073363	-0.11899
GP239	5221	GCCCAAAATCTGAAGAATGCGTATGTTGCACAG	9810	AQNLKNAYVAQ	14399	NLKNAYV	0.073205	-0.06961
SyS2942	5222	GCCCAAAGCAAAACGACAGACCCGGCGCACAG	9811	AQSKNDRPGAQ	14400	SKNDRPG	0.073138	-0.12344
SyS2943	5223	GCCCAAAGAGGCAGCGGCCAAGACATCGCACAG	9812	AQRGSGQDIAQ	14401	RGSGQDI	0.0731	-0.15374
SyS2944	5224	GCCCAAGTCGGCAGCAACACCAGCTACGCACAG	9813	AQVGSNTSYAQ	14402	VGSNTSY	0.073063	-0.03729
SyS2946	5225	GCCCAAAGCCCCAGAATCGGCAGCACCGCACAG	9814	AQSPRIGSTAQ	14403	SPRIGST	0.072976	-0.21436

도면33fa

SyS2947	5226	GCCCAAGGTACTTTGAAGGAGACTAGTGCACAG	9815	AQGTLKETSAQ	14404	GTLKETS	0.072976	-0.21436
SyS2948	5227	GCCCAAAGCATCCAAAGAACCGTCGCCGCACAG	9816	AQSIQRTVAAQ	14405	SIQRTVA	0.072957	-0.12829
SyS2950	5228	GCCCAAAGAGGCGAAAGCAACGGCACCGCACAG	9817	AQRGESNGTAQ	14406	RGESNGT	0.072864	-0.13071
SyS2951	5229	GCCCAAGAACCCAGCAACGCCAGAGTCGCACAG	9818	AQEPSNARVAQ	14407	EPSNARV	0.072852	-0.21448
GS1674	5230	GCCCAAAGCCAAGCCACCATGAACAAAGCACAG	9819	AQSQATMNKAQ	14408	SQATMNK	0.072824	-0.03657
SyS2952	5231	GCCCAAGCCCAAGGCACCAGCACCACCGCACAG	9820	AQAQGTSTTAQ	14409	AQGTSTT	0.072774	0.021058
SyS2953	5232	GCCCAATACATGAGCAAAAACAACCTCGCACAG	9821	AQYMSKNNLAQ	14410	YMSKNNL	0.072703	-0.08453
GP241	5233	GCCCAAAATACGACGAATATGTCGAAGGCACAG	9822	AQNTTNMSKAQ	14411	NTTNMSK	0.072684	-0.06642
GS1675	5234	GCCCAATCGAAGGCTTCTAAGACTGAGGCACAG	9823	AQSKASKTEAQ	14412	SKASKTE	0.072653	-0.15764
SyS2955	5235	GCCCAAATGGCTGGTTCTATTGTTACTGCACAG	9824	AQMAGSIVTAQ	14413	MAGSIVT	0.072511	-0.22164
SyS2956	5236	GCCCAAGTGAATTCGAGTCAGACTCCTGCACAG	9825	AQVNSSQTPAQ	14414	VNSSQTP	0.07248	-0.17875
SyP88	5237	GCCCAAACTCGTAGTGCTCTTCTTGATGCACAG	9826	AQTRSALLDAQ	14415	TRSALLD	0.07245	-0.03959
SyS2958	5238	GCCCAAGGGATTAGTTATTCGCCTTCTGCACAG	9827	AQGISYSPSAQ	14416	GISYSPS	0.072408	-0.17433
SyS2959	5239	GCCCAACATGGGAGGGAGGTTCCGCAGGCACAG	9828	AQHGREVPQAQ	14417	HGREVPQ	0.07239	0.073051
GS1677	5240	GCCCAAACCAGAAGCGCCGACAACAGAGCACAG	9829	AQTRSADNRAQ	14418	TRSADNR	0.072342	-0.09862
SyS2962	5241	GCCCAATCTGGGAATTCGTCGCGTGGTGCACAG	9830	AQSGNSSRGAQ	14419	SGNSSRG	0.0723	-0.20216
SyS2963	5242	GCCCAAACGACGAAGGGGAATCCTTCGGCACAG	9831	AQTTKGNPSAQ	14420	TTKGNPS	0.071966	-0.20345
GS1679	5243	GCCCAAGACATGAGAAGCACCAGAGACGCACAG	9832	AQDMRSTRDAQ	14421	DMRSTRD	0.071824	-0.16842
SyS2964	5244	GCCCAACTGGGTAATTCGTTGCCGGCTGCACAG	9833	AQLGNSLPAAQ	14422	LGNSLPA	0.071809	-0.02082
GS1680	5245	GCCCAATTGACTAGTATGTCGATTCCTGCACAG	9834	AQLTSMSIPAQ	14423	LTSMSIP	0.071702	-0.1756
SyS2967	5246	GCCCAAGGCACCCACATCAAACAAGCCGCACAG	9835	AQGTHIKQAAQ	14424	GTHIKQA	0.071536	-0.18527
GS1681	5247	GCCCAAACTCAGGGTCGTATTGTTAGTGCACAG	9836	AQTQGRIVSAQ	14425	TQGRIVS	0.071228	-0.1296
SyS2970	5248	GCCCAACTCGGCGGCAACAACACCCTCGCACAG	9837	AQLGGNNTLAQ	14426	LGGNNTL	0.071141	-0.11838
SyS2971	5249	GCCCAAATGTCTGCGAATAATGGTCGTGCACAG	9838	AQMSANNGRAQ	14427	MSANNGR	0.071102	-0.0887
GP242	5250	GCCCAAGTTACTAATCCGATGAGTGCGGCACAG	9839	AQVTNPMSAAQ	14428	VTNPMSA	0.070957	-0.07086
SyS2972	5251	GCCCAAGAGGCTTATAAGTCTACGTCGGCACAG	9840	AQEAYKSTSAQ	14429	EAYKSTS	0.070916	-0.17193
SyS2975	5252	GCCCAAAGACCCAACAACCAAGGCCAAGCACAG	9841	AQRPNNQGQAQ	14430	RPNNQGQ	0.070759	-0.15288
SyS2976	5253	GCCCAAATGAATTTTGCGGGTAGTGGTGCACAG	9842	AQMNFAGSGAQ	14431	MNFAGSG	0.07066	-0.13071
GP243	5254	GCCCAAAAGACTAATCATAGTTCGTCTGCACAG	9843	AQKTNHSSSAQ	14432	KTNHSSS	0.070635	-0.06975
SyS2977	5255	GCCCAAAAATGGGTATGGGTCGCAGACGGCACAG	9844	AQNGYGSQTAQ	14433	NGYGSQT	0.070529	-0.0094
SyS2978	5256	GCCCAAAAAACCGGCCACCAATTCACCGCACAG	9845	AQKTGHQFTAQ	14434	KTGHQFT	0.070429	-0.21818
SyS2979	5257	GCCCAAACCGCCAGAACCCTCCAACTCGCACAG	9846	AQTARTLQLAQ	14435	TARTLQL	0.070336	-0.1247

도면33fb

SS213	5258	GCCCAACAAGCCAGCACCACCCAAATCGCACAG	9847	AQQASTTQIAQ	14436	QASTTQI	0.070288	-0.3987
SyS2980	5259	GCCCAAACTGCTTTTGATACGCGTGGTGCACAG	9848	AQTAFDTRGAQ	14437	TAFDTRG	0.070216	-0.0582
SyS2981	5260	GCCCAAGTCAACAGCCACGTCGCCAGAGCACAG	9849	AQVNSHVARAQ	14438	VNSHVAR	0.070107	0.01137
SyS2983	5261	GCCCAAAGTCCGCTTCATTCTAATACGGCACAG	9850	AQSPLHSNTAQ	14439	SPLHSNT	0.069894	-0.20951
SyS2984	5262	GCCCAACTCAGCAGAGTCACCATCAACGCACAG	9851	AQLSRVTINAQ	14440	LSRVTIN	0.069886	-0.1307
SyS2987	5263	GCCCAAACTCAGCATAATGTGGATTCGGCACAG	9852	AQTQHNVDSAQ	14441	TQHNVDS	0.069682	-0.21448
SyS2988	5264	GCCCAAACCTTCCAAACCAGCAACAGCGCACAG	9853	AQTFQTSNSAQ	14442	TFQTSNS	0.069368	0.003859
SyS2989	5265	GCCCAAAGTAATCATGTTAGTGTTAATGCACAG	9854	AQSNHVSVNAQ	14443	SNHVSVN	0.069358	-0.15496
SyS2990	5266	GCCCAAATGCTCCACAGCAGCATCACCGCACAG	9855	AQMLHSSITAQ	14444	MLHSSIT	0.069253	-0.2231
GS1685	5267	GCCCAACTGAAGGCTACTGATGGGTCGGCACAG	9856	AQLKATDGSAQ	14445	LKATDGS	0.068961	-0.16753
GS1686	5268	GCCCAACTCGGCAACATGCACAACATGGCACAG	9857	AQLGNMHNMAQ	14446	LGNMHNM	0.068637	-0.10508
SyS2993	5269	GCCCAAATCAACAGACTCATCAGCGGCGCACAG	9858	AQINRLISGAQ	14447	INRLISG	0.068598	0.031034
SyS2994	5270	GCCCAAACCAGAAGCAACCTCGCCAGCGCACAG	9859	AQTRSNLASAQ	14448	TRSNLAS	0.068554	-0.15288
SyS2995	5271	GCCCAACATTCGAATGGTGTTAGGGGGGCACAG	9860	AQHSNGVRGAQ	14449	HSNGVRG	0.06839	-0.09686
SyS2997	5272	GCCCAAGCCGGCAACCCCAGAGAAAAAGCACAG	9861	AQAGNPREKAQ	14450	AGNPREK	0.068322	-0.12337
SyS2999	5273	GCCCAAAGAGCCAGAGACGTCGACGAAGCACAG	9862	AQRARDVDEAQ	14451	RARDVDE	0.067899	-0.17678
SS217	5274	GCCCAAGTCAGCAACGGCCCCAGCCTCGCACAG	9863	AQVSNGPSLAQ	14452	VSNGPSL	0.067877	-0.37204
GS1687	5275	GCCCAAGCGAATCAGAGGGGTGTTGGGGCACAG	9864	AQANQRGVGAQ	14453	ANQRGVG	0.067791	-0.14599
GS1688	5276	GCCCAAATGAGAAGCGAAACCCTCAACGCACAG	9865	AQMRSETLNAQ	14454	MRSETLN	0.06777	-0.171
GS1689	5277	GCCCAAAAACCCAGCAGCCAACTCCTCGCACAG	9866	AQKPSSQLLAQ	14455	KPSSQLL	0.067749	-0.10538
SyS3000	5278	GCCCAAAGCCTCAGACCCCACGACAGAGCACAG	9867	AQSLRPHDRAQ	14456	SLRPHDR	0.067635	-0.23376
GS1690	5279	GCCCAAGGTTCGAATGCTTCGAAGTATGCACAG	9868	AQGSNASKYAQ	14457	GSNASKY	0.067496	-0.09073
SyS3002	5280	GCCCAAACCAACAGAGAGACCTCGGCCCCGCACAG	9869	AQTNRDLGPAQ	14458	TNRDLGP	0.067362	-0.23618
SyS3004	5281	GCCCAATGGGGGTCTACTGCGGGTGCTGCACAG	9870	AQWGSTAGAAQ	14459	WGSTAGA	0.067211	-0.14795
SyS3005	5282	GCCCAAATCAGCGGCGCCGACAGAACCGCACAG	9871	AQISGADRTAQ	14460	ISGADRT	0.067202	-0.06067
SyS3007	5283	GCCCAAAGCGCCGTCAGAAGCCCCATCGCACAG	9872	AQSAVRSPIAQ	14461	SAVRSPI	0.067136	-0.18648
GS1693	5284	GCCCAAAGAGTCAGCCACACCGAAACCGCACAG	9873	AQRVSHTETAQ	14462	RVSHTET	0.066771	-0.12188
SyS3008	5285	GCCCAAAAAGCCAACAGCCAAATCACCGCACAG	9874	AQKANSQITAQ	14463	KANSQIT	0.066615	-0.2268
SyS3009	5286	GCCCAACCGAGTGTGTATCGTGAGCCTGCACAG	9875	AQPSVYREPAQ	14464	PSVYREP	0.066506	-0.19375
SyS3010	5287	GCCCAAACCACCAACTTCGTCACCAGCGCACAG	9876	AQTTNFVTSAQ	14465	TTNFVTS	0.066487	-0.196
SyS3011	5288	GCCCAAAACCTCATGCCCACCGACAGAGCACAG	9877	AQNLMPTDRAQ	14466	NLMPTDR	0.066443	-0.0508
GS1695	5289	GCCCAAACCAACCACACCGGCAGCCAAGCACAG	9878	AQTNHTGSQAQ	14467	TNHTGSQ	0.066407	-0.16304

도면33fc

GS1696	5290	GCCCAACACTGGAACGGCACCAACCCGCACAG	9879	AQHWNGTNPAQ	14468	HWNGTNP	0.066366	-0.10986
GS1697	5291	GCCCAACATAAGTCTATTGGTCAGGAGGCACAG	9880	AQHKSIGQEAQ	14469	HKSIGQE	0.066155	-0.17768
SyS3012	5292	GCCCAAACTCGGCCGATTCCGATTAGTGCACAG	9881	AQTRPIPISAQ	14470	TRPIPIS	0.065601	-0.18769
SyS3013	5293	GCCCAAAACCCCGGCATGAGCAGAATGGCACAG	9882	AQNPGMSRMAQ	14471	NPGMSRM	0.065579	-0.20345
SyS3015	5294	GCCCAAATTGCTAATCGGGTGTCGCCTGCACAG	9883	AQIANRVSPAQ	14472	IANRVSP	0.065325	-0.21325
GP244	5295	GCCCAAACGGCGTTGGCGAATCAGAAGGCACAG	9884	AQTALANQKAQ	14473	TALANQK	0.065317	0.093523
SyS3016	5296	GCCCAAACTTCGCTTTCTTCTTCTGCTGCACAG	9885	AQTSLSSSAAQ	14474	TSLSSSA	0.06508	-0.17118
GS1700	5297	GCCCAAGCTTTGACTGGTAATATGTCGGCACAG	9886	AQALTGNMSAQ	14475	ALTGNMS	0.064735	-0.13712
GS1701	5298	GCCCAAATGCAGACGAAGAATGTGCCGGCACAG	9887	AQMQTKNVPAQ	14476	MQTKNVP	0.064729	-0.16432
GP246	5299	GCCCAACAGGCGACTAAGACTAATGTTGCACAG	9888	AQQATKTNVAQ	14477	QATKTNV	0.064527	-0.07329
GS1702	5300	GCCCAACTCCACACCACCAGCAGCGTCGCACAG	9889	AQLHTTSSVAQ	14478	LHTTSSV	0.064309	-0.06184
GS1703	5301	GCCCAATACGTCCAAAGCAGCAGCAACGCACAG	9890	AQYVQSSSNAQ	14479	YVQSSSN	0.064226	-0.18368
SyS3017	5302	GCCCAAACGATGAAGATTCGTACTGAGGCACAG	9891	AQTMKIRTEAQ	14480	TMKIRTE	0.063807	-0.19133
SyS3019	5303	GCCCAAAAGAGTCATTCGCCTGGGTCGGCACAG	9892	AQKSHSPGSAQ	14481	KSHSPGS	0.063552	-0.19375
GP248	5304	GCCCAAAAGGCGGTGGATCCTCCGAATGCACAG	9893	AQKAVDPPNAQ	14482	KAVDPPN	0.06345	-0.07301
SyS3021	5305	GCCCAAAATGCTCCTCCTCCTATGAGTCCTGCACAG	9894	AQNAPPMSPAQ	14483	NAPPMSP	0.063019	-0.21194
SyS3022	5306	GCCCAAATCAACAAAATGTTCACCCCCGCACAG	9895	AQINKMFTPAQ	14484	INKMFTP	0.062922	-0.18245
GS1704	5307	GCCCAATATGCTAAGGCGACTTTGGGTGCACAG	9896	AQYAKATLGAQ	14485	YAKATLG	0.062788	-0.15955
GS1705	5308	GCCCAACATCTTGCGCGTCCGTCTGAGGCACAG	9897	AQHLARPSEAQ	14486	HLARPSE	0.062657	-0.14328
SyS3024	5309	GCCCAACAACTCAACAGCGACAGAAACGCACAG	9898	AQQLNSDRNAQ	14487	QLNSDRN	0.062537	-0.17678
SyS3026	5310	GCCCAAATGAGGCCTGATACTAGTTATGCACAG	9899	AQMRPDTSYAQ	14488	MRPDTSY	0.061794	-0.07565
SyS3027	5311	GCCCAAGGCGTCGCCATGAGCAGCGGCGCACAG	9900	AQGVAMSSGAQ	14489	GVAMSSG	0.061421	-0.22187
SyS3028	5312	GCCCAAGGTCATTCTAGGCCTGATCGGGCACAG	9901	AQGHSRPDRAQ	14490	GHSRPDR	0.061217	-0.21315
SyS3029	5313	GCCCAAGTCTTCCAAGCCACCAGAACCGCACAG	9902	AQVFQATRTAQ	14491	VFQATRT	0.06105	-0.14842
SyP91	5314	GCCCAAACTTCGTTGACGTCGTATACTGCACAG	9903	AQTSLTSYTAQ	14492	TSLTSYT	0.06097	-0.04186
SyS3032	5315	GCCCAAAAACTCAACACCGGCGACATCGCACAG	9904	AQKLNTGDIAQ	14493	KLNTGDI	0.06088	-0.09377
GS1708	5316	GCCCAAAGAACCAACGAAACCATCGTCGCACAG	9905	AQRTNETIVAQ	14494	RTNETIV	0.060773	-0.10144
SyS3033	5317	GCCCAAAGACTCCAAAACAGCACCCCCGCACAG	9906	AQRLQNSTPAQ	14495	RLQNSTP	0.060769	-0.14526
SyS3036	5318	GCCCAAACGTCGCGGCTTACTAGTGGGGCACAG	9907	AQTSRLTSGAQ	14496	TSRLTSG	0.060537	-0.18284
SyS3037	5319	GCCCAAAGCAACACCACCTTCAGCGCCGCACAG	9908	AQSNTTFSAAQ	14497	SNTTFSA	0.060537	-0.218
SyS3038	5320	GCCCAAGACCAAAGAAGCAGCCCCGCCGCACAG	9909	AQDQRSSPAAQ	14498	DQRSSPA	0.060474	0.074204
GS1709	5321	GCCCAAGTTGGGAGTGGTGGGTCTCGTGCACAG	9910	AQVGSGGGSRAQ	14499	VGSGGSR	0.060342	-0.18149

도면33fd

SyS3039	5322	GCCCAAAGAAGCACCAACGCCCCCAACGCACAG	9911	AQRSTNAPNAQ	14500	RSTNAPN	0.060253	-0.18527
GP249	5323	GCCCAAATGGCGGGTCAGCAGCGGTTGGCACAG	9912	AQMAGQQRLAQ	14501	MAGQQRL	0.060214	-0.07405
GS1710	5324	GCCCAAATTAGGAATTCTGCTCCTCCTGCACAG	9913	AQIRNSAPPAQ	14502	IRNSAPP	0.060006	-0.16753
SyS3040	5325	GCCCAACTGTCGACTAAGAGTTTTAATGCACAG	9914	AQLSTKSFNAQ	14503	LSTKSFN	0.059895	-0.0596
GS1711	5326	GCCCAATGGCCGGGGTCGATTACTGCGGCACAG	9915	AQWPGSITAAQ	14504	WPGSITA	0.059836	-0.1026
SS224	5327	GCCCAAACCGGCGGCGTCCACGCCCAAGCACAG	9916	AQTGGVHAQAQ	14505	TGGVHAQ	0.059719	-0.36534
GS1713	5328	GCCCAATCTGAGAGGTCGTCTATGGCTGCACAG	9917	AQSERSSMAAQ	14506	SERSSMA	0.059554	-0.17386
SyS3042	5329	GCCCAATTTCAGAATGGTCGGAATAATGCACAG	9918	AQFQNGRNNAQ	14507	FQNGRNN	0.05943	-0.22527
SyS3045	5330	GCCCAAGGCGGCAGCAGACTCCCCCAAGCACAG	9919	AQGGSRLPQAQ	14508	GGSRLPQ	0.059246	0.005703
SyS3047	5331	GCCCAAGGCGGCAACAGCCTCAGCGTCGCACAG	9920	AQGGNSLSVAQ	14509	GGNSLSV	0.058708	-0.19739
SyS3048	5332	GCCCAATCGAAGAAGATTGATCATGGTGCACAG	9921	AQSKKIDHGAQ	14510	SKKIDHG	0.058708	-0.19739
SyS3049	5333	GCCCAATATCGTGATACGTTGGCGGCTGCACAG	9922	AQYRDTLAAAQ	14511	YRDTLAA	0.05864	-0.10104
GS1715	5334	GCCCAACTCCACAGCGGCGAAAGAAACGCACAG	9923	AQLHSGERNAQ	14512	LHSGERN	0.058356	-0.13213
SyS3050	5335	GCCCAAATTATGCCTCATGGTTCGCCTGCACAG	9924	AQIMPHGSPAQ	14513	IMPHGSP	0.05825	-0.17629
SyS3051	5336	GCCCAAACCGCCAGAACCCTCAACATGGCACAG	9925	AQTARTLNMAQ	14514	TARTLNM	0.05825	-0.12147
SyP93	5337	GCCCAAGCTAGTGTTCAGGGGCATAGTGCACAG	9926	AQASVQGHSAQ	14515	ASVQGHS	0.058222	-0.04362
SyS3054	5338	GCCCAATTGAATAATGCTGGAGGCGGGCACAG	9927	AQLNNAGRAAQ	14516	LNNAGRA	0.058102	-0.20216
SyS3056	5339	GCCCAAGGCCTCAGAGGCAGCCACGCCGCACAG	9928	AQGLRGSHAAQ	14517	GLRGSHA	0.058027	-0.15011
SyS3057	5340	GCCCAATTTGTGCGTGATTCTTATTCGGCACAG	9929	AQFVRDSYSAQ	14518	FVRDSYS	0.057988	-0.1214
GS1716	5341	GCCCAAGGCAGATTCACCGGCACCGAAGCACAG	9930	AQGRFTGTEAQ	14519	GRFTGTE	0.057942	-0.17577
SP53	5342	GCCCAACGTCAGAATCCGATTGAGCTTGCACAG	9931	AQRQNPIELAQ	14520	RQNPIEL	0.057876	-0.05124
SyS3058	5343	GCCCAAGTCAGAGACAAATTCGGCACCGCACAG	9932	AQVRDKFGTAQ	14521	VRDKFGT	0.057761	-0.15253
GS1717	5344	GCCCAACTCCCCAGCAACAGCAAACAGAGCACAG	9933	AQLPSNSNRAQ	14522	LPSNSNR	0.057489	-0.18547
SyS3061	5345	GCCCAAGTCAGACAAGAACACACCAGCGCACAG	9934	AQVRQEHTSAQ	14523	VRQEHTS	0.057485	-0.13639
SyS3062	5346	GCCCAAATCAGACAAGGCCCCACCAACGCACAG	9935	AQIRQGPTNAQ	14524	IRQGPTN	0.057472	-0.22434
SyS3063	5347	GCCCAAGACTACAGCAAAAGCAACACCGCACAG	9936	AQDYSKSNTAQ	14525	DYSKSNT	0.057421	-0.11995
SyS3064	5348	GCCCAAATGTCGAATGTTAATGTTTCGGCACAG	9937	AQMSNVNVSAQ	14526	MSNVNVS	0.057014	-0.22891
SyS3066	5349	GCCCAAATGAGCAGCGGCAGAAGCCTCGCACAG	9938	AQMSSGRSLAQ	14527	MSSGRSL	0.056536	-0.21194
SyS3067	5350	GCCCAAGGCCTCAGAGACATCAGAGCCGCACAG	9939	AQGLRDIRAAQ	14528	GLRDIRA	0.056134	-0.21436
SyS3068	5351	GCCCAACTGATTTCTGCTCATAAGGGTGCACAG	9940	AQLISAHKGAQ	14529	LISAHKG	0.056125	-0.18984
SyS3069	5352	GCCCAACCCATCAACACCCCACGCCGCCGCACAG	9941	AQPINTHAAAQ	14530	PINTHAA	0.055919	-0.03722
SyS3070	5353	GCCCAAATGCCTCATGTGGGGAATGCTGCACAG	9942	AQMPHVGNAAQ	14531	MPHVGNA	0.055761	-0.196

도면33fe

SyS3071	5354	GCCCAATATGGTTCTCTGCGATTAATGCACAG	9943	AQYGSSAINAQ	14532	YGSSAIN	0.055471	-0.22557
SyS3073	5355	GCCCAACATGCTTCTATGCCTAGTTCTGCACAG	9944	AQHASMPSSAQ	14533	HASMPSS	0.055168	-0.08783
SyS3074	5356	GCCCAATTTGGGGAGAATGCTCGTTTTGCACAG	9945	AQFGENARFAQ	14534	FGENARF	0.055162	-0.131
SyS3076	5357	GCCCAATCTAGGCATGATTTGCCTTCTGCACAG	9946	AQSRHDLPSAQ	14535	SRHDLPS	0.055032	-0.20224
SyS3077	5358	GCCCAACGGTCGCAGGGTGCGAATATGGCACAG	9947	AQRSQGANMAQ	14536	RSQGANM	0.054873	-0.14214
SyS3078	5359	GCCCAAGCCAACAGCAACAGCCACAGCGCACAG	9948	AQANSNSHSAQ	14537	ANSNSHS	0.054709	0.06627
GP255	5360	GCCCAACAGGCTAGGCAGAATCAGGGTGCACAG	9949	AQQARQNQGAQ	14538	QARQNQG	0.054577	-0.06905
GS1723	5361	GCCCAAGGTGTGGCTAGTAATACGAGGGCACAG	9950	AQGVASNTTAQ	14539	GVASNTT	0.054331	-0.12484
GS1724	5362	GCCCAAAAGTATAGTTCTTCTCAGAGTGCACAG	9951	AQKYSSSQSAQ	14540	KYSSSQS	0.054225	-0.16528
SyS3081	5363	GCCCAAAGCGCCAAAACCCTCAACACCGCACAG	9952	AQSAKTLNTAQ	14541	SAKTLNT	0.054008	-0.06036
SyS3082	5364	GCCCAAGGCATCAGAACCACCAACGCCGCACAG	9953	AQGIRTTNAAQ	14542	GIRTTNA	0.053754	-0.12222
GP257	5365	GCCCAAATGAATACGACGATTAATAGGGCACAG	9954	AQMNTTINRAQ	14543	MNTTINR	0.053729	-0.06843
SyS3083	5366	GCCCAACTCAAAAACACCAGCCTCCCGCACAG	9955	AQLKNTSLPAQ	14544	LKNTSLP	0.053711	-0.19254
GS1725	5367	GCCCAAACTAATCGTGCTGCTACGATGGCACAG	9956	AQTNRAATMAQ	14545	TNRAATM	0.053552	-0.07849
SyS3084	5368	GCCCAACACGGCTACCCCAACGTCCCCGCACAG	9957	AQHGYPNVPAQ	14546	HGYPNVP	0.053161	-0.20955
SyS3085	5369	GCCCAATGGGGCTACAGAGGCGCCGAAGCACAG	9958	AQWGYRGAEAQ	14547	WGYRGAE	0.053019	-0.20683
SyS3086	5370	GCCCAACTCCTCGTCACCAACACCAGCGCACAG	9959	AQLLVTNTSAQ	14548	LLVTNTS	0.052911	-0.20586
SP54	5371	GCCCAAAAGAATCGTCTTCCTCCTGATGCACAG	9960	AQKNRLPPDAQ	14549	KNRLPPD	0.052816	-0.05331
GP259	5372	GCCCAATATCGTTCGCAGGAGCATCCGGCACAG	9961	AQYRSQEHPAQ	14550	YRSQEHP	0.052745	-0.07356
GS1728	5373	GCCCAACACGGCGGCAGAGTCAGCCCCGCACAG	9962	AQHGGRVSPAQ	14551	HGGRVSP	0.052674	-0.08274
SP55	5374	GCCCAAGGGCAGAATAGGCTTGCTTCGGCACAG	9963	AQGQNRLASAQ	14552	GQNRLAS	0.052585	-0.05282
GS1729	5375	GCCCAACAGTCGGTTTCTGCTACGAGGGCACAG	9964	AQQSVSATRAQ	14553	QSVSATR	0.052569	-0.11912
GS1730	5376	GCCCAACAAAGACCCATCCCCCAAGCCGCACAG	9965	AQQRPIPQAAQ	14554	QRPIPQA	0.052511	-0.09282
GP260	5377	GCCCAACAGAGGGCGATTGGTATTGAGGCACAG	9966	AQQRAIGIEAQ	14555	QRAIGIE	0.052081	-0.06454
GS1731	5378	GCCCAATTTGGGCATGTGGGTATTAATGCACAG	9967	AQFGHVGINAQ	14556	FGHVGIN	0.052078	-0.15412
SyS3088	5379	GCCCAATTTGAGCATGTTCGTTCGGAGGCACAG	9968	AQFEHVRSEAQ	14557	FEHVRSE	0.051845	-0.23618
SyS3089	5380	GCCCAAAAAAGCGTCACCAGCAACACCGCACAG	9969	AQKSVTSNTAQ	14558	KSVTSNT	0.051777	-0.061
SyS3090	5381	GCCCAACTCACCGGCAACGTCACCGCCGCACAG	9970	AQLTGNVTAAQ	14559	LTGNVTA	0.051576	-0.21448
GS1732	5382	GCCCAAAATCATGCGTATCCGTCGGCGGCACAG	9971	AQNHAYPSAAQ	14560	NHAYPSA	0.051489	-0.16034
SyS3091	5383	GCCCAAATGCCGCAGGGTAAGAGTGTTGCACAG	9972	AQMPQGKSVAQ	14561	MPQGKSV	0.051435	-0.18163
SyS3092	5384	GCCCAACTCAGAACCGCCGCCACCAGCGCACAG	9973	AQLRTAATSAQ	14562	LRTAATS	0.051386	-0.23012
SyS3095	5385	GCCCAAGATTCTCAGCATCGGGTTTCTGCACAG	9974	AQDSQHRVSAQ	14563	DSQHRVS	0.05101	-0.15253

도면33ff

SyS3096	5386	GCCCAATTCCTCAACGAACACACCGTCGCACAG	9975	AQFLNEHTVAQ	14564	FLNEHTV	0.050937	-0.10186
SyS3098	5387	GCCCAAAACAGCACCGGCACCAGCATGGCACAG	9976	AQNSTGTSMAQ	14565	NSTGTSM	0.050651	-0.03019
SyP98	5388	GCCCAACATAGTCCTCCTATGTCGGCGGCACAG	9977	AQHSPPMSAAQ	14566	HSPPMSA	0.05057	-0.0435
SyS3099	5389	GCCCAATTGATGTCGCAGCGTCCTACGGCACAG	9978	AQLMSQRPTAQ	14567	LMSQRPT	0.050441	-0.22649
SyS3100	5390	GCCCAAAACACCAACGTCAACCCCCCCGCACAG	9979	AQNTNVNPPAQ	14568	NTNVNPP	0.050347	-0.18042
SyS3104	5391	GCCCAATGGGGTGGTTATTCTTCGGCTGCACAG	9980	AQWGGYSSAAQ	14569	WGGYSSA	0.050081	-0.2231
GS1733	5392	GCCCAATACAGCCTCAACCCCAGCGGCGCACAG	9981	AQYSLNPSGAQ	14570	YSLNPSG	0.050057	-0.05463
GS1734	5393	GCCCAAAAAGAAAGCAAAGACAGAGTCGCACAG	9982	AQKESKDRVAQ	14571	KESKDRV	0.050049	-0.18054
SyS3105	5394	GCCCAAAAGCTGGTGTCGAGTCCTGATGCACAG	9983	AQKLVSSPDAQ	14572	KLVSSPD	0.049827	-0.16829
SyS3106	5395	GCCCAAAACACCGCCAGCCACAACGCCGCACAG	9984	AQNTASHNAAQ	14573	NTASHNA	0.049827	-0.16829
SyS3107	5396	GCCCAAGACATGAGCAACAAAACCTACGCACAG	9985	AQDMSNKTYAQ	14574	DMSNKTY	0.049793	-0.19133
SyS3108	5397	GCCCAACTCGTCCACAAAGACTTCCCCGCACAG	9986	AQLVHKDFPAQ	14575	LVHKDFP	0.049712	-0.21571
SyS3109	5398	GCCCAAAAACCCGCCCTCGCCCAAAACGCACAG	9987	AQKPALAQNAQ	14576	KPALAQN	0.049542	-0.23296
GS1735	5399	GCCCAAGGCAACGCCCAACCCAGCAAAGCACAG	9988	AQGNAQPSKAQ	14577	GNAQPSK	0.049521	-0.09141
SyS3110	5400	GCCCAAAGAGTCGCCCACACCGAAAACGCACAG	9989	AQRVAHTENAQ	14578	RVAHTEN	0.049496	-0.10715
SyS3111	5401	GCCCAAGTTCTGCGTCTTTATGGCGGCACAG	9990	AQVSASFMAAQ	14579	VSASFMA	0.049437	-0.02125
SyS3112	5402	GCCCAACGGGGTGCTGACGGCTGATGCTGCACAG	9991	AQRVLTADAAQ	14580	RVLTADA	0.049329	-0.08038
GS1737	5403	GCCCAAACCGTCGTCGGCACCAAACAAGCACAG	9992	AQTVVGTKQAQ	14581	TVVGTKQ	0.049239	-0.16241
SyS3113	5404	GCCCAACTTGCGAGGACGCAGCCTTCTGCACAG	9993	AQLARTQPSAQ	14582	LARTQPS	0.049237	-0.21679
GS1738	5405	GCCCAAATGTCGAGTAGTCATTCTGCTGCACAG	9994	AQMSSSHSAAQ	14583	MSSSHSA	0.049163	-0.17768
GP261	5406	GCCCAACCGTCTTCGAAGTCTCCGTCGGCACAG	9995	AQPSSKSPSAQ	14584	PSSKSPS	0.049142	-0.0728
GP262	5407	GCCCAATATTCTGGTGCGATGTCGGTGGCACAG	9996	AQYSGAMSVAQ	14585	YSGAMSV	0.049076	-0.06114
SyS3114	5408	GCCCAACCGCCGCCTACGAAGTCGTATGCACAG	9997	AQPPPTKSYAQ	14586	PPPTKSY	0.048985	-0.00892
SyP100	5409	GCCCAATCTGCGCCGCATGCTACGACGGCACAG	9998	AQSAPHATTAQ	14587	SAPHATT	0.048581	-0.04347
SyS3116	5410	GCCCAAGCTTCTAAGCCTATGGTTGCTGCACAG	9999	AQASKPMVAAQ	14588	ASKPMVA	0.04844	-0.2277
SyS3117	5411	GCCCAAACCCTCACCTACGGCGACAGAGCACAG	10000	AQTLTYGDRAQ	14589	TLTYGDR	0.048421	-0.20709
SyS3118	5412	GCCCAAGCCAGAAGCGACAGCAAAGACGCACAG	10001	AQARSDSKDAQ	14590	ARSDSKD	0.048221	-0.17505
SyS3119	5413	GCCCAAATGAGCAAAGCCGCCAGCCTCGCACAG	10002	AQMSKAASLAQ	14591	MSKAASL	0.047752	-0.19496
SyS3121	5414	GCCCAAAGCACCCACACCAGCGCCGTCGCACAG	10003	AQSTHTSAVAQ	14592	STHTSAV	0.047188	-0.1233
GS1742	5415	GCCCAAACTGCTCGTCTTCAGGATGGTGCACAG	10004	AQTARLQDGAQ	14593	TARLQDG	0.047164	-0.13739
SyS3122	5416	GCCCAAAGACCCGTCCTCGGCCAACCCGCACAG	10005	AQRPVLGQPAQ	14594	RPVLGQP	0.047021	-0.22649
SyS3123	5417	GCCCAAGCCAGCTTCAAAACCGAAGTCGCACAG	10006	AQASFKTEVAQ	14595	ASFKTEV	0.046975	-0.08471

도면33fg

GS1743	5418	GCCCAAGTCACCAGAACCGTCAACGCCGCACAG	10007	AQVTRTVNAAQ	14596	VTRTVNA	0.046915	-0.16663
SyS3125	5419	GCCCAAGACCACGCCAGAAGCGGCGGCGCACAG	10008	AQDHARSGGAQ	14597	DHARSGG	0.046836	-0.21571
GS1744	5420	GCCCAAACGACGCATTTGACGGTGAGTGCACAG	10009	AQTTHLTVSAQ	14598	TTHLTVS	0.046543	-0.10586
SyS3126	5421	GCCCAAGTCCCCAAAAGCAACGGCACCGCACAG	10010	AQVPKSNGTAQ	14599	VPKSNGT	0.046485	-0.16708
SyS3127	5422	GCCCAAAGACTCGGCGTCGGCCCCGAAGCACAG	10011	AQRLGVGPEAQ	14600	RLGVGPE	0.046192	-0.17557
SyS3128	5423	GCCCAAAACAACAGACAAACCAGCGACGCACAG	10012	AQNNRQTSDAQ	14601	NNRQTSD	0.046184	-0.14302
SyS3129	5424	GCCCAAAGATTCACCAACAACGAAGCCGCACAG	10013	AQRFTNNEAAQ	14602	RFTNNEA	0.045922	0.054373
SyS3131	5425	GCCCAAAGTTGGCATCAGATGCGGGGGGCACAG	10014	AQSSHQMRGAQ	14603	SSHQMRG	0.045403	-0.18648
GS1745	5426	GCCCAAACTACGATGGGGACGATGTTGGCACAG	10015	AQTTMGTMLAQ	14604	TTMGTML	0.044961	-0.14435
SyS3133	5427	GCCCAAACCAACGGCGGCGTCCCCATCGCACAG	10016	AQTNGGVPIAQ	14605	TNGGVPI	0.04489	-0.09496
SyS3135	5428	GCCCAAAAAAGCAACGAAGGCAACGGCGCACAG	10017	AQKSNFGNGAQ	14606	KSNFGNG	0.044718	-0.06873
SyS3137	5429	GCCCAAAACGTCGCCATGACCACCCTCGCACAG	10018	AQNVAMTTLAQ	14607	NVAMTTL	0.044662	0.069739
SyS3138	5430	GCCCAATACAGCGGCCACACCCCCATGGCACAG	10019	AQYSGHTPMAQ	14608	YSGHTPM	0.044417	0.00379
GP266	5431	GCCCAAGGTACTCCGAATCGGGCGCTGGCACAG	10020	AQGTPNRALAQ	14609	GTPNRAL	0.0441	-0.06683
SyS3141	5432	GCCCAAAGAAGCGGCCCCACCCAACCCGCACAG	10021	AQRSGPTQPAQ	14610	RSGPTQP	0.043925	-0.19375
SyS3142	5433	GCCCAAATCTTCAACCTCAAACAAGACGCACAG	10022	AQIFNLKQDAQ	14611	IFNLKQD	0.043579	-0.0447
SyS3143	5434	GCCCAACACGCCATGAGCCTCAGCCCCGCACAG	10023	AQHAMSLSPAQ	14612	HAMSLSP	0.04335	-0.14871
SyS3144	5435	GCCCAAAGCGAAAGCATGCTCAGAGAAGCACAG	10024	AQSESMLREAQ	14613	SESMLRE	0.043343	0.006658
SyS3146	5436	GCCCAACTCCCCAGACCCCCCCAAGCCGCACAG	10025	AQLPRPPQAAQ	14614	LPRPPQA	0.043059	-0.22187
GP268	5437	GCCCAACTTGGTCTTGGGGCTTTGTCTGCACAG	10026	AQLGLGALSAQ	14615	LGLGALS	0.042709	-0.07245
SyS3148	5438	GCCCAAATTCCTAAGTCGGCGGATATTGCACAG	10027	AQIPKSADIAQ	14616	IPKSADI	0.042447	-0.09151
SyS3150	5439	GCCCAAGCTCAGTCGTTGCGTACTATGGCACAG	10028	AQAQSLRTMAQ	14617	AQSLRTM	0.042077	-0.19113
SyP103	5440	GCCCAAATGCTTACTAGTTCGTTGGATGCACAG	10029	AQMLTSSLDAQ	14618	MLTSSLD	0.041856	-0.03909
SyS3151	5441	GCCCAAATCTACAGAGACAACGAAAGAGCACAG	10030	AQIYRDNERAQ	14619	IYRDNER	0.041758	-0.20345
SyS3155	5442	GCCCAAAGCCCCCCCACCATGCCCGCCGCACAG	10031	AQSPPTMPAAQ	14620	SPPTMPA	0.041298	-0.18769
SyS3156	5443	GCCCAACCTATGAGGAGTGGTACGCCTGCACAG	10032	AQPMRSGTPAQ	14621	PMRSGTP	0.041276	-0.10941
GS1750	5444	GCCCAACTCCTCAGCAAAAGCAGCGAAGCACAG	10033	AQLLSKSSEAQ	14622	LLSKSSE	0.041269	0.009441
SyS3157	5445	GCCCAAACCGCCAACTTCCAAGAAAGAGCACAG	10034	AQTANFQERAQ	14623	TANFQER	0.041022	-0.22406
GS1751	5446	GCCCAAAGCGGCAACAGACCCGTCACCGCACAG	10035	AQSGNRPVTAQ	14624	SGNRPVT	0.040905	-0.17381
SyS3158	5447	GCCCAACTGAATCAGGTTGATAGTCGTGCACAG	10036	AQLNQVDSRAQ	14625	LNQVDSR	0.040817	-0.14836
SyS3159	5448	GCCCAAATTACGCCGAGTTCTAGTAAGGCACAG	10037	AQITPSSSKAQ	14626	ITPSSSK	0.040646	-0.20224
SyS3160	5449	GCCCAAGATGTTTCGCTTACTAAGGCGGCACAG	10038	AQDVSLTKAAQ	14627	DVSLTKA	0.040618	-0.17351

도면33fh

SyS3161	5450	GCCCAAATCAACATGAGAACCGCCGTCGCACAG	10039	AQINMRTAVAQ	14628	INMRTAV	0.040605	-0.196
SyS3165	5451	GCCCAATCTAAGAATACTGGTAGTGCTGCACAG	10040	AQSKNTGSAAQ	14629	SKNTGSA	0.039045	-0.19353
SyS3166	5452	GCCCAAGGCAGCGCCCACCAAGAACCCGCACAG	10041	AQGSAHQEPAQ	14630	GSAHQEP	0.038738	-0.15431
SyS3167	5453	GCCCAATCGAAGAATGCTCTGAATCATGCACAG	10042	AQSKNALNHAQ	14631	SKNALNH	0.038724	-0.15493
SyS3169	5454	GCCCAAGGTAAGGCTGTTTCTGTGAGTGCACAG	10043	AQGKAVSVSAQ	14632	GKAVSVS	0.038307	-0.21941
SyS3170	5455	GCCCAATATTCGGGGACTGGTACGGTTGCACAG	10044	AQYSGTGTVAQ	14633	YSGTGTV	0.038212	-0.05651
SyS3171	5456	GCCCAAAGTATTCCTGATCGTCGTGGTGCACAG	10045	AQSIPDRRGAQ	14634	SIPDRRG	0.038196	-0.19011
SyS3172	5457	GCCCAAAACATCGCCAACCTCAACGCCGCACAG	10046	AQNIANLNAAQ	14635	NIANLNA	0.038109	-0.08121
GP271	5458	GCCCAATCTGGTGCGCGTGAGTTGAATGCACAG	10047	AQSGARELNAQ	14636	SGARELN	0.037867	-0.0669
GS1758	5459	GCCCAAGGCCACAGCTACACCAAAGAAGCACAG	10048	AQGHSYTKEAQ	14637	GHSYTKE	0.037813	-0.17022
GS1759	5460	GCCCAAACCCTCAACAGCATCAGAGCCGCACAG	10049	AQTLNSIRAAQ	14638	TLNSIRA	0.037735	-0.18547
GS1760	5461	GCCCAATTGTCTCTTCTTCGATTGCTGCACAG	10050	AQLSLSSIAAQ	14639	LSLSSIA	0.037722	-0.11989
SyS3176	5462	GCCCAAAATGTTAGTCGGGTGACGAATGCACAG	10051	AQNVSRVTNAQ	14640	NVSRVTN	0.037619	-0.19254
GP272	5463	GCCCAATATGATACGACGGCGAATCGGGCACAG	10052	AQYDTTANRAQ	14641	YDTTANR	0.037535	-0.07377
SS235	5464	GCCCAAATCGACAGACTCAACAGCAGCGCACAG	10053	AQIDRLNSSAQ	14642	IDRLNSS	0.037392	-0.32512
SyS3179	5465	GCCCAAACCACCACCAACAGAATCAGCGCACAG	10054	AQTTTNRISAQ	14643	TTTNRIS	0.037156	-0.20216
GP273	5466	GCCCAATTTAATACGGTTAGGGATAGGGCACAG	10055	AQFNTVRDRAQ	14644	FNTVRDR	0.037001	-0.07086
SyP104	5467	GCCCAACGTACGTTGGCGGATGAGCTTGCACAG	10056	AQRTLADELAQ	14645	RTLADEL	0.036972	-0.04415
SyS3181	5468	GCCCAAAGGCATACTATTGAGCAGGCGGCACAG	10057	AQRHTIEQAAQ	14646	RHTIEQA	0.036633	-0.07978
SyS3183	5469	GCCCAACAAACCATGGGCAGCAGCGTCGCACAG	10058	AQQTMGSSVAQ	14647	QTMGSSV	0.036028	-0.19375
SyS3184	5470	GCCCAACTTAATAGGCCGCAGCATAGTGCACAG	10059	AQLNRPQHSAQ	14648	LNRPQHS	0.035803	-0.23173
SyS3185	5471	GCCCAAATGAGCGTCGCCCTCAGAGGCGCACAG	10060	AQMSVALRGAQ	14649	MSVALRG	0.035678	-0.21557
GS1761	5472	GCCCAAGACAACCTCGCCAGAATGGGCGCACAG	10061	AQDNLARMGAQ	14650	DNLARMG	0.035588	-0.10134
SyS3187	5473	GCCCAAACGGGCGCATAATGCTTTGCTGGCACAG	10062	AQTAHNALLAQ	14651	TAHNALL	0.035533	-0.17102
SyS3189	5474	GCCCAACATACGGATCGGTCTGGGCTTGCACAG	10063	AQHTDRSGLAQ	14652	HTDRSGL	0.03511	-0.06215
SyS3190	5475	GCCCAATACGTCGGCGGCATCGTCCCCGCACAG	10064	AQYVGGIVPAQ	14653	YVGGIVP	0.03509	-0.2268
SyS3191	5476	GCCCAAAAGCCCGAATCAGACTCCGAATGCACAG	10065	AQKPNQTPNAQ	14654	KPNQTPN	0.034864	-0.19846
SyS3193	5477	GCCCAAGCCCGGCAGCAGCCTCCTCCCCGCACAG	10066	AQAGSSLLPAQ	14655	AGSSLLP	0.034195	-0.22557
SyS3194	5478	GCCCAAAGTAATGTTCATGATAGGTCGGCACAG	10067	AQSNVHDRSAQ	14656	SNVHDRS	0.034117	-0.04524
SyS3196	5479	GCCCAAGTCACCAAACTCGGCAGCCCCGCACAG	10068	AQVTKLGSPAQ	14657	VTKLGSP	0.033726	-0.17629
GS1763	5480	GCCCAAAGAGGCGTCGAAAGAAGCAGCGCACAG	10069	AQRGVERSSAQ	14658	RGVERSS	0.033626	-0.14503
SyS3197	5481	GCCCAAACGAGTCTTAGTGGTTCGAATGCACAG	10070	AQTSLSGSNAQ	14659	TSLSGSN	0.033051	-0.22803

도면33fi

SyS3198	5482	GCCCAACTCAGCCTCAGCACCAACAACGCACAG	10071	AQLSLSTNNAQ	14660	LSLSTNN	0.03277	-0.20588
GS1766	5483	GCCCAACTCGGCCAAATCACCAGACCCGCACAG	10072	AQLGQITRPAQ	14661	LGQITRP	0.032735	-0.13666
SyS3199	5484	GCCCAAAATGCGTCTCCTGGGAGTAGTGCACAG	10073	AQNASPGSSAQ	14662	NASPGSS	0.032455	-0.15335
SyS3200	5485	GCCCAAATGAAGGCGAATAGTCTTTCGGCACAG	10074	AQMKANSLSAQ	14663	MKANSLS	0.032347	-0.16951
SyS3201	5486	GCCCAACATAAGGGGATGGCGAATTCGGCACAG	10075	AQHKGMANSAQ	14664	HKGMANS	0.032108	-0.14425
GS1769	5487	GCCCAAGGCAGAAACAACTACCCCGACGCACAG	10076	AQGRNNYPDAQ	14665	GRNNYPD	0.031842	-0.09188
SyS3204	5488	GCCCAACTCCCCGACCAAAAATGGCAAGCACAG	10077	AQLPDQKWQAQ	14666	LPDQKWQ	0.031415	-0.21325
SyS3206	5489	GCCCAAGGCGTCAACAACAGAGGCAGCGCACAG	10078	AQGVNNRGSAQ	14667	GVNNRGS	0.0313	0.063353
GS1771	5490	GCCCAAAACAGAATCGGCATGCAACCCGCACAG	10079	AQNRIGMQPAQ	14668	NRIGMQP	0.031094	-0.07541
SyS3208	5491	GCCCAAGAGAAGGTGCCGAGTCTGAATGCACAG	10080	AQEKVPSLNAQ	14669	EKVPSLN	0.031014	-0.23012
GS1772	5492	GCCCAAGGCAGAGACAGCAGCAACCCCGCACAG	10081	AQGRDSSNPAQ	14670	GRDSSNP	0.030896	-0.10468
SyS3209	5493	GCCCAAACCGGCAGACCCAACCTCATGGCACAG	10082	AQTGRPNLMAQ	14671	TGRPNLM	0.030687	-0.22649
SyS3212	5494	GCCCAAGTCGCCGGCAGAAGCCCCATGGCACAG	10083	AQVAGRSPMAQ	14672	VAGRSPM	0.030511	-0.16344
SyS3213	5495	GCCCAACTCCCCCACGTCAGCGTCCCCGCACAG	10084	AQLPHVSVPAQ	14673	LPHVSVP	0.030241	-0.19618
SyS3214	5496	GCCCAACTCAGAACCGGCAGCTTCGCCGCACAG	10085	AQLRTGSFAAQ	14674	LRTGSFA	0.029936	-0.16587
SyS3216	5497	GCCCAAGCGGGTGTTTCTAGTGGGAGTGCACAG	10086	AQAGVSSGSAQ	14675	AGVSSGS	0.029244	-0.14892
GS1773	5498	GCCCAATGGAGAGACAGCGGCCACGGCGCACAG	10087	AQWRDSGHGAQ	14676	WRDSGHG	0.029219	-0.16663
SyS3217	5499	GCCCAAAGCTTCGGCAACAGACCCGTCGCACAG	10088	AQSFGNRPVAQ	14677	SFGNRPV	0.029098	-0.20093
SyS3218	5500	GCCCAAAAAGTCAGCCACAACGCGCAACGCACAG	10089	AQKVSHNGDAQ	14678	KVSHNGD	0.029043	-0.13435
SyS3220	5501	GCCCAAAACACCCCCCCCTACGTCCAAGCACAG	10090	AQNTPPVVQAQ	14679	NTPPVVQ	0.028913	-0.09322
SyS3222	5502	GCCCAAAAGAAGGATAATAATCAGCCGGCACAG	10091	AQKKDNNQPAQ	14680	KKDNNQP	0.028636	-0.07058
GS1774	5503	GCCCAAACTATTAAGTCTTTGCCTGTGGCACAG	10092	AQTIKSLPVAQ	14681	TIKSLPV	0.028464	-0.08628
GS1775	5504	GCCCAAATTAATGCGATGCGGTCGCAGGCACAG	10093	AQINAMRSQAQ	14682	INAMRSQ	0.028288	-0.12055
SyS3223	5505	GCCCAAGGCAACAGCATCGCCAAAGGCGCACAG	10094	AQGNSIAKGAQ	14683	GNSIAKG	0.028156	-0.14283
GP279	5506	GCCCAAGTTACTACTCCTAAGGCTTTTGCACAG	10095	AQVTTPKAFAQ	14684	VTTPKAF	0.028102	-0.07259
SyS3224	5507	GCCCAAGGCAGCGTCGCCGGCAGCAGAGCACAG	10096	AQGSVAGSRAQ	14685	GSVAGSR	0.028078	-0.18614
GS1777	5508	GCCCAAAGTGCTAATAATGCTCCTAAGGCACAG	10097	AQSANNAPKAQ	14686	SANNAPK	0.027939	-0.14408
GS1778	5509	GCCCAAGACAGACTCAACCCCCTCCCCGCACAG	10098	AQDRLNPLPAQ	14687	DRLNPLP	0.027045	-0.07977
GS1779	5510	GCCCAAAGAAACCAACCCACCGACGTCGCACAG	10099	AQRNQPTDVAQ	14688	RNQPTDV	0.026888	-0.09709
SyS3227	5511	GCCCAAACCCAAGTCGGCAGCGGCCCCGCACAG	10100	AQTQVGSGPAQ	14689	TQVGSGP	0.026786	0.288018
GS1780	5512	GCCCAACTGAGTCAGGTTCGAGGCCGGCACAG	10101	AQLSQVSRPAQ	14690	LSQVSRP	0.02663	-0.1747
SyS3228	5513	GCCCAAAACGGCGCCAACCTCCAAATGGCACAG	10102	AQNGANLQMAQ	14691	NGANLQM	0.026629	-0.03438

도면33fj

SyS3229	5514	GCCCAAATGTTGACGACGAATTCTGTGGCACAG	10103	AQMLTTNSVAQ	14692	MLTTNSV	0.026559	-0.21818
SyS3230	5515	GCCCAAACTTCTACGCGTCCTTCTCCGGCACAG	10104	AQTSTRPSPAQ	14693	TSTRPSP	0.026559	-0.21818
GS1781	5516	GCCCAAAAATACATCGGCAGCGGCGAAGCACAG	10105	AQKYIGSGEAQ	14694	KYIGSGE	0.026538	-0.12177
TS186	5517	GCCCAAAATAATCTTACGAGGGTTACGGCACAG	10106	AQNNLTRVTAQ	14695	NNLTRVT	0.026508	-0.34346
SyS3231	5518	GCCCAAAAAATGAAACCATGATGCCCGCACAG	10107	AQKIETMMPAQ	14696	KIETMMP	0.025789	-0.09946
SyS3233	5519	GCCCAACTCAGCCACCACACCAGAGACGCACAG	10108	AQLSHHTIRDAQ	14697	LSHHTRD	0.025678	-0.16587
GS1782	5520	GCCCAAACTCGGACGAATCCTACTGAGGCACAG	10109	AQTRTNPTEAQ	14698	TRTNPTE	0.025594	-0.16753
GS1783	5521	GCCCAAAGCACCAGAAACGTCGTCGGCGCACAG	10110	AQSTRNVVGAQ	14699	STRNVVG	0.025529	-0.05289
SyS3234	5522	GCCCAAAGCGTCGACCTCAGAAAAGACGCACAG	10111	AQSVDLRKDAQ	14700	SVDLRKD	0.025464	-0.20345
SyS3235	5523	GCCCAAAAACGCCGCGCCCCCCGCGAGAGCACAG	10112	AQNAAAPARAQ	14701	NAAAPAR	0.025463	-0.1406
SyS3236	5524	GCCCAAACCCAAATCGCCATCAGCCCCGCACAG	10113	AQTQIAISPAQ	14702	TQIAISP	0.025204	-0.07054
GS1785	5525	GCCCAACAAAAAAACCTCAGCCAAAGCGCACAG	10114	AQQKNLSQSAQ	14703	QKNLSQS	0.024848	-0.17672
SyP106	5526	GCCCAAACTTCTATGGGTGGTGAGCCTGCACAG	10115	AQTSMGGEPAQ	14704	TSMGGEP	0.024606	-0.04136
GS1786	5527	GCCCAATCTACGTCGCATCAGAATACGGCACAG	10116	AQSTSHQNTAQ	14705	STSHQNT	0.024595	-0.17005
GS1787	5528	GCCCAACTCAGAGGCAGCATGCAAAGCGCACAG	10117	AQLRGSMQSAQ	14706	LRGSMQS	0.024509	-0.17381
SyS3240	5529	GCCCAAGTCACCCACCAAATCCACAACGCACAG	10118	AQVTHQIHNAQ	14707	VTHQIHN	0.024364	-0.1133
SyS3241	5530	GCCCAAAACGTCAGAAACGCCCCCGGCGCACAG	10119	AQNVRNAPGAQ	14708	NVRNAPG	0.024296	-0.1392
GP283	5531	GCCCAACAGTCGAGGAGTGCTGCTGCGGCACAG	10120	AQQSRSAAAAQ	14709	QSRSAAA	0.023847	-0.07363
GS1789	5532	GCCCAACATAATCAGGCGCCTTCGGGTGCACAG	10121	AQHNQAPSGAQ	14710	HNQAPSG	0.023511	-0.11187
GS1791	5533	GCCCAAATTGGTTCGATGCATCATACTGCACAG	10122	AQIGSMHHTAQ	14711	IGSMHHT	0.022872	-0.12394
SyS3245	5534	GCCCAAACCAACCCCGGCCCCCTCGCCGCACAG	10123	AQTNPGPLAAQ	14712	TNPGPLA	0.022868	-0.11515
GS1792	5535	GCCCAAAACACCCCCCACAAGCGCCAGCGCACAG	10124	AQNTPHNASAQ	14713	NTPHNAS	0.022732	-0.11479
GS1793	5536	GCCCAAAGAGTCATCGGCAACAGCAGCGCCACAG	10125	AQRVIGNSSAQ	14714	RVIGNSS	0.022466	-0.11769
SyS3247	5537	GCCCAATCGACTGGGAATCGGTCGGTTGCACAG	10126	AQSTGNRSVAQ	14715	STGNRSV	0.02232	-0.22042
SS243	5538	GCCCAAATGAATTCTGAGGTGACTCGGGCACAG	10127	AQMNSEVTRAQ	14716	MNSEVTR	0.022135	-0.39527
SyS3248	5539	GCCCAACAGCAGGCTAAGGGTTCGACTGCACAG	10128	AQQQAKGSTAQ	14717	QQAKGST	0.022131	0.090546
SyS3249	5540	GCCCAACTTGGTATTCAGCGTGGGGGTGCACAG	10129	AQLGIQRGGAQ	14718	LGIQRGG	0.022113	-0.16397
SyS3250	5541	GCCCAACATGTGGGTGCGGCTACTTCGGCACAG	10130	AQHVGAATSAQ	14719	HVGAATS	0.022058	-0.06734
SyS3251	5542	GCCCAAAAGTGGAATTCTACGATGGAGGCACAG	10131	AQKWNSTMEAQ	14720	KWNSTME	0.021626	-0.17678
SyS3252	5543	GCCCAAAGCAGAGTCCCCGAAAGCAACGCACAG	10132	AQSRVPESNAQ	14721	SRVPESN	0.021378	0.016613
SyS3254	5544	GCCCAACTCATGGCCAAAAGCATGAGCGCACAG	10133	AQLMAKSMSAQ	14722	LMAKSMS	0.020763	-0.136
GP287	5545	GCCCAACGGCCTATGGAGCCTTCGATTGCACAG	10134	AQRPMEPSIAQ	14723	RPMEPSI	0.020678	-0.07287

도면33fk

GS1796	5546	GCCCAACAAGTCACCAGCAGCAGACCCGCACAG	10135	AQQVTSSRPAQ	14724	QVTSSRP	0.020514	-0.17291
SyS3255	5547	GCCCAAAGAGAGCCCAACATGAGCAGCGCACAG	10136	AQRDANMSSAQ	14725	RDANMSS	0.020461	-0.22891
SyP107	5548	GCCCAAGGTTTGCTGAGTCAGGATGGGGCACAG	10137	AQGLLSQDGAQ	14726	GLLSQDG	0.020461	-0.03624
SyS3256	5549	GCCCAAACCATCAACGCCCACAGCATCGCACAG	10138	AQTINAHSIAQ	14727	TINAHSI	0.020285	-0.2305
GS1798	5550	GCCCAACTTACGGGTAATAAGCCGCAGGCACAG	10139	AQLTGNKPQAQ	14728	LTGNKPQ	0.020189	-0.06129
SyS3258	5551	GCCCAAACCTTCGACACCAACAAAACCGCACAG	10140	AQTFDTNKTAQ	14729	TFDTNKT	0.020006	0.0216
GP288	5552	GCCCAAACTCTGCAGACGACGGTCTTGCACAG	10141	AQTLQTTRLAQ	14730	TLQTTRL	0.019833	-0.06975
SyS3260	5553	GCCCAAACCAGCCAAATGAGAAGCCCCGCACAG	10142	AQTSQMRSPAQ	14731	TSQMRSP	0.019503	-0.18121
SyS3263	5554	GCCCAAGTTAGTCCTTCTAATAAGGCTGCACAG	10143	AQVSPSNKAAQ	14732	VSPSNKA	0.01927	-0.04747
SyS3264	5555	GCCCAACTTAATCGGACGTATCCTCCTGCACAG	10144	AQLNRTYPPAQ	14733	LNRTYPP	0.019243	-0.05825
SyS3265	5556	GCCCAAAATGCGGAGCTGGCTGTGAGGGCACAG	10145	AQNAELAVRAQ	14734	NAELAVR	0.019069	0.012759
GS1799	5557	GCCCAAAGGCCGAATACGACGACTGATGCACAG	10146	AQRPNTTTDAQ	14735	RPNTTTD	0.019007	-0.16051
TS188	5558	GCCCAAACCAACAGAACCCAACTCTACGCACAG	10147	AQTNRTQLYAQ	14736	TNRTQLY	0.018992	-0.36487
GS1800	5559	GCCCAACCCAAAAGCAGCGGCATCAACGCACAG	10148	AQPKSSGINAQ	14737	PKSSGIN	0.018919	-0.16623
SyS3266	5560	GCCCAAAACAACAGCAACACCAGACAAGCACAG	10149	AQNNSNTRQAQ	14738	NNSNTRQ	0.01874	-0.17193
SyS3267	5561	GCCCAACGTGTGACGGATGCTGGGTGGGCACAG	10150	AQRVTDAGSAQ	14739	RVTDAGS	0.018655	-0.01219
SyS3269	5562	GCCCAAGACACCCCCACCACCAGAACCGCACAG	10151	AQDTPTTRTAQ	14740	DTPTTRT	0.018548	-0.21194
SyS3270	5563	GCCCAAAACCTCAACCTCAGCATGAGCGCACAG	10152	AQNLNLSMSAQ	14741	NLNLSMS	0.018456	-0.13777
SyS3271	5564	GCCCAACCTAATCGGACTGCTAATAATGCACAG	10153	AQPNRTANNAQ	14742	PNRTANN	0.018422	-0.23012
SyS3272	5565	GCCCAATGGAATCGGACGAGTACGGCTGCACAG	10154	AQWNRTSTAAQ	14743	WNRTSTA	0.018254	-0.13798
SyS3273	5566	GCCCAACAAAGCAACCCCGTCATCCCCGCACAG	10155	AQQSNPVIPAQ	14744	QSNPVIP	0.018084	-0.12294
SyS3274	5567	GCCCAAATCAGAAACGTCACCAGCGACGCACAG	10156	AQIRNVTSDAQ	14745	IRNVTSD	0.017976	-0.17752
GS1801	5568	GCCCAAGAAGTCACCGACACCACCAGAGCACAG	10157	AQEVTDTTRAQ	14746	EVTDTTR	0.017963	-0.13433
GS1802	5569	GCCCAAGCCCAAAACAAAAGCGGCCCCGCACAG	10158	AQAQNKSGPAQ	14747	AQNKSGP	0.017856	-0.04694
GS1803	5570	GCCCAATATATTAATCAGACTGAGTCTGCACAG	10159	AQYINQTESAQ	14748	YINQTES	0.017623	-0.14919
GS1804	5571	GCCCAAAGAGTCCCCGTCAGCGAAAACGCACAG	10160	AQRVPVSENAQ	14749	RVPVSEN	0.017595	-0.18727
SyS3276	5572	GCCCAACAAAACGGCACCAAACTCCAAGCACAG	10161	AQQNGTKLQAQ	14750	QNGTKLQ	0.017587	-0.03676
SyS3278	5573	GCCCAAGGGTATTCTAATAATACGGCTGCACAG	10162	AQGYSNNTAAQ	14751	GYSNNTA	0.017267	-0.1097
SyS3279	5574	GCCCAAAACAGAGGCATGGGCAACGTCGCACAG	10163	AQNRGMGNVAQ	14752	NRGMGNV	0.017194	-0.18405
GS1805	5575	GCCCAATATATGAGGGATCCGTCGACTGCACAG	10164	AQYMRDPSTAQ	14753	YMRDPST	0.016919	-0.14227
SyS3281	5576	GCCCAAAGCATCCCCAGCAGAGACGTCGCACAG	10165	AQSIPSRDVAQ	14754	SIPSRDV	0.016767	-0.23419
SyS3282	5577	GCCCAAGGTCCTGTTTCTATGAATTCTGCACAG	10166	AQGPVSMNSAQ	14755	GPVSMNS	0.016767	-0.23419

도면33f1

SyP109	5578	GCCCAATCTGAGGGGGTGACTCGTCTTGCACAG	10167	AQSEGVTRLAQ	14756	SEGVTRL	0.016584	-0.04225
SyS3285	5579	GCCCAAAGCGTCAACGCCGGCGCCATGGCACAG	10168	AQSVNAGAMAQ	14757	SVNAGAM	0.0165	-0.19431
SyS3286	5580	GCCCAAGAGATGACGAAGACGATTCCTGCACAG	10169	AQEMTKTIPAQ	14758	EMTKTIP	0.016449	-0.2277
SyS3287	5581	GCCCAACACGCCAGCGTCAAAATGCCCGCACAG	10170	AQHASVKMPAQ	14759	HASVKMP	0.016342	-0.19011
SS247	5582	GCCCAAAACAACGGCCTCAAACTCAGCGCACAG	10171	AQNNGLKLSAQ	14760	NNGLKLS	0.015858	-0.37779
GP293	5583	GCCCAACCTGTTTCTCATAATGCTGGTGCACAG	10172	AQPVSHNAGAQ	14761	PVSHNAG	0.015689	-0.06496
SyS3290	5584	GCCCAAAAAGTCGCCGCCGCCGCCGCCGCACAG	10173	AQKVAAAAAAQ	14762	KVAAAAA	0.015496	-0.22649
SyS3291	5585	GCCCAAATGGCGAATGCGATTAGGAGTGCACAG	10174	AQMANAIRSAQ	14763	MANAIRS	0.015463	-0.2268
SS248	5586	GCCCAATTCGGCCAAAGCACCAGCGGCGCACAG	10175	AQFGQSTSGAQ	14764	FGQSTSG	0.015166	-0.30325
GP294	5587	GCCCAAACGTCGAGTACGATTCTTAGGGCACAG	10176	AQTSSTILRAQ	14765	TSSTILR	0.015153	-0.07218
SyS3294	5588	GCCCAAAACGTCAGCAGAGCCGAACACGCACAG	10177	AQNVSRAEHAQ	14766	NVSRAEH	0.014814	-0.218
SyS3295	5589	GCCCAAAGAACCGCCCCAGCACCGAAGCACAG	10178	AQRTAPSTEAQ	14767	RTAPSTE	0.014569	0.032334
SyS3297	5590	GCCCAACTCGCCAGAAGCGAACACCTCGCACAG	10179	AQLARSEHLAQ	14768	LARSEHL	0.014209	-0.11809
SyS3298	5591	GCCCAAAGCACCGGCCACCCCAGCCAAGCACAG	10180	AQSTGHPSQAQ	14769	STGHPSQ	0.014148	-0.08
GS1811	5592	GCCCAATCGCGTCCGGATAAGAATCTGGCACAG	10181	AQSRPDKNLAQ	14770	SRPDKNL	0.014135	-0.10291
SyS3299	5593	GCCCAAAAAAAAGCGGACAGCCCCAACGCACAG	10182	AQKKSDSPNAQ	14771	KKSDSPN	0.014026	-0.13578
SS250	5594	GCCCAAGTCAACAGCAGAATCTACGCCGCACAG	10183	AQVNSRIYAAQ	14772	VNSRIYA	0.013946	-0.36314
GS1814	5595	GCCCAACTGCGGCAGATGGCTAATGGGGCACAG	10184	AQLRQMANGAQ	14773	LRQMANG	0.013231	-0.18637
SyS3301	5596	GCCCAAGAAAGACTCAAAGGCAGCAGCGCACAG	10185	AQERLKGSSAQ	14774	ERLKGSS	0.012774	0.017944
GP297	5597	GCCCAAATGTCGTATATGCGGGTGGATGCACAG	10186	AQMSYMRVDAQ	14775	MSYMRVD	0.012568	-0.06801
GP298	5598	GCCCAATTTAATTCTAAGCTTCAGCTTGCACAG	10187	AQFNSKLQLAQ	14776	FNSKLQL	0.012457	-0.07356
SyS3302	5599	GCCCAAAGAGAACACGTCAACGACAGCGCACAG	10188	AQREHVNDSAQ	14777	REHVNDS	0.012246	-0.16819
SyS3303	5600	GCCCAAGGCAGCCCCAGCCAAAACACCGCACAG	10189	AQGSPSQNTAQ	14778	GSPSQNT	0.012182	-0.12853
SyS3304	5601	GCCCAACATACTGCTGAGAAGGCTCCGGCACAG	10190	AQHTAEKAPAQ	14779	HTAEKAP	0.011841	-0.13024
SyS3305	5602	GCCCAAAGCATGAGCGGCAAACTCGACGCACAG	10191	AQSMSGKLDAQ	14780	SMSGKLD	0.011656	-0.14283
SyS3306	5603	GCCCAAACCAGCCAAAGCAGAACCAGCGCACAG	10192	AQTSQSRTSAQ	14781	TSQSRTS	0.011418	-0.17013
SyS3307	5604	GCCCAATGGCCGACGCAGAGTGGTAGTGCACAG	10193	AQWPTQSGSAQ	14782	WPTQSGS	0.01135	-0.07352
TS190	5605	GCCCAAGACAACACCACCAGACTCAAAGCACAG	10194	AQDNTTRLKAQ	14783	DNTTRLK	0.011299	-0.32818
SyP110	5606	GCCCAATCGTCTGCTGCTGGGAAGTGGGCACAG	10195	AQSSAAGKWAQ	14784	SSAAGKW	0.011192	-0.0418
SyS3311	5607	GCCCAATCGAAGTTTGCTCATGTGGCTGCACAG	10196	AQSKFAHVAAQ	14785	SKFAHVA	0.010513	-0.19981
GS1820	5608	GCCCAACAAACCTACCAAGGCAGCACCGCACAG	10197	AQQTYQGSTAQ	14786	QTYQGST	0.010458	-0.18054
SyS3312	5609	GCCCAAACCGTCAACCTCAACAGAGCCGCACAG	10198	AQTVNLNRAAQ	14787	TVNLNRA	0.010308	-0.19969

도면33fm

SyS3313	5610	GCCCAAAGATACGGCAGCAGCCTCCCGCACAG	10199	AQRYGSSLPAQ	14788	RYGSSLP	0.009869	-0.21072
GS1822	5611	GCCCAAAGAAGCAACAGCAGCAACCTCGCACAG	10200	AQRSNSSNLAQ	14789	RSNSSNL	0.009735	-0.09744
GS1823	5612	GCCCAACAAGGCCCCAGCATCAGAGACGCACAG	10201	AQQGPSIRDAQ	14790	QGPSIRD	0.00931	-0.17112
GS1824	5613	GCCCAATGGAGAGACCTCGCCCCCGTCGCACAG	10202	AQWRDLAPVAQ	14791	WRDLAPV	0.009233	-0.1186
SyS3316	5614	GCCCAACACAGCGACATCCAAAGACCCGCACAG	10203	AQHSDIQRPAQ	14792	HSDIQRP	0.009085	-0.01571
GS1825	5615	GCCCAATTGGCGGCGATGACGAATGCTGCACAG	10204	AQLAAMTNAAQ	14793	LAAMTNA	0.008985	-0.10156
SyS3317	5616	GCCCAAAGCGCCAACCACACCCACACCGCACAG	10205	AQSANHTHTAQ	14794	SANHTHT	0.008908	-0.08086
SyS3318	5617	GCCCAAGGGAAGCTGTCGGTGGAGAATGCACAG	10206	AQGKLSVENAQ	14795	GKLSVEN	0.008617	-0.07767
SyS3319	5618	GCCCAAAAACCCGGCGCCAACCCCCCCGCACAG	10207	AQKPGANPPAQ	14796	KPGANPP	0.008265	-0.07573
GP301	5619	GCCCAACTTACTGAGGGTCGTCATGATGCACAG	10208	AQLTEGRHDAQ	14797	LTEGRHD	0.008187	-0.07148
SyP112	5620	GCCCAACTTGGGTCGAATATTTATCCGGCACAG	10209	AQLGSNIYPAQ	14798	LGSNIYP	0.00806	-0.03861
SyS3321	5621	GCCCAAAACGGCGCCCACAGCAGCGAAGCACAG	10210	AQNGAHSSEAQ	14799	NGAHSSE	0.007822	-0.08193
GS1826	5622	GCCCAAAATACGATGGGTGGTGCGGCGGCACAG	10211	AQNTMGGAAAQ	14800	NTMGGAA	0.007814	-0.14962
SyS3322	5623	GCCCAAAGAACCCCCATCGGCCAACCCGCACAG	10212	AQRTPIGQPAQ	14801	RTPIGQP	0.007542	-0.18648
SyS3323	5624	GCCCAATATAGTGTGGCTCAGCAGCCGGCACAG	10213	AQYSVAQQPAQ	14802	YSVAQQP	0.007381	-0.22064
GP303	5625	GCCCAACCTCATTCTAAGGGGATGCTTGCACAG	10214	AQPHSKGMLAQ	14803	PHSKGML	0.007181	-0.0685
GS1827	5626	GCCCAAGTTCCGGCGCATGGGATGGGTGCACAG	10215	AQVPAHGMGAQ	14804	VPAHGMG	0.007168	-0.12619
SyS3324	5627	GCCCAAATTGGTGGGGTTCCTCAGCGTGCACAG	10216	AQIGGVPQRAQ	14805	IGGVPQR	0.007145	-0.12889
SyS3325	5628	GCCCAAGTGCAGGGGACGGTTTCGAGGGCACAG	10217	AQVQGTVSRAQ	14806	VQGTVSR	0.007118	-0.15153
SyS3326	5629	GCCCAAAGTGGTGGGAGTGGTGCTCCTGCACAG	10218	AQSGGSGAPAQ	14807	SGGSGAP	0.006964	-0.05146
SyS3327	5630	GCCCAAAAAGTCCCCCACCCAAACCGAAGCACAG	10219	AQKVPTQTEAQ	14808	KVPTQTE	0.006686	-0.09626
SyS3328	5631	GCCCAAATTTCGACGATGAAGCCTAGTGCACAG	10220	AQISTMKPSAQ	14809	ISTMKPS	0.006591	-0.15981
SyS3329	5632	GCCCAAAGCAGAGTCGTCGAACAAGCCGCACAG	10221	AQSRVVEQAAQ	14810	SRVVEQA	0.006345	-0.21818
SyS3331	5633	GCCCAAGTCCTCAGCAGACAAAGCACCGCACAG	10222	AQVLSRQSTAQ	14811	VLSRQST	0.006155	-0.23376
SyS3332	5634	GCCCAAGTCGTCACCACCAGCAGCATGGCACAG	10223	AQVVTTSSMAQ	14812	VVTTSSM	0.006155	-0.23376
SyP114	5635	GCCCAAAGTACGGGTTCTTCGGGTTTGGCACAG	10224	AQSTGSSGLAQ	14813	STGSSGL	0.006086	-0.04068
TS192	5636	GCCCAACCCAACAGAGCCGCCAACAACGCACAG	10225	AQPNRAANNAQ	14814	PNRAANN	0.005926	-0.37804
SyS3333	5637	GCCCAATATCCTGTTAATAGTCAGCCTGCACAG	10226	AQYPVNSQPAQ	14815	YPVNSQP	0.005608	-0.22042
SyS3334	5638	GCCCAAAAAAGCGCCAGCCCCTACGACGCACAG	10227	AQKSASPYDAQ	14816	KSASPYD	0.005437	-0.08849
GS1830	5639	GCCCAAAGCAAAAGCTGGGGCGCCCGCCGCACAG	10228	AQSKSWGAAAQ	14817	SKSWGAA	0.005259	-0.13947
SyS3335	5640	GCCCAATCTGCGATGCTGAAGGTTGATGCACAG	10229	AQSAMLKVDAQ	14818	SAMLKVD	0.005199	-0.20339
SP62	5641	GCCCAACGGAGTCAGACGATTCAGGCTGCACAG	10230	AQRSQTIQAAQ	14819	RSQTIQA	0.004569	-0.05254

도면33fn

SyS3336	5642	GCCCAACCCAGCAGACTCGGCGACGCACAG	10231	AQPSSRLGDAQ	14820	PSSRLGD	0.004505	0.004214
GS1831	5643	GCCCAAATCGGCCCCAGAGGCACCCAAGCACAG	10232	AQIGPRGTQAQ	14821	IGPRGTQ	0.004293	-0.15764
SyS3337	5644	GCCCAAGCCAGCAAAGGCCAATACCTCGCACAG	10233	AQASKGQYLAQ	14822	ASKGQYL	0.004037	-0.23497
GP306	5645	GCCCAAGTTAGGACTCTTACTGTTGATGCACAG	10234	AQVRTLTVDAQ	14823	VRTLTVD	0.003991	-0.06489
SyS3339	5646	GCCCAACGTGGGAATGCTGCGAATGAGGCACAG	10235	AQRGNAANEAQ	14824	RGNAANE	0.003862	-0.12561
SyS3340	5647	GCCCAATTCGGCAGCCACCCCAGCGTCGCACAG	10236	AQFGSHPSVAQ	14825	FGSHPSV	0.003469	-0.2231
GP309	5648	GCCCAAGGTCATCCGACTCCTGTTAATGCACAG	10237	AQGHPTPVNAQ	14826	GHPTPVN	0.003421	-0.06822
GS1833	5649	GCCCAAAGCCTCAACCCCGTCAGAATGGCACAG	10238	AQSLNPVRMAQ	14827	SLNPVRM	0.002868	-0.1138
GP312	5650	GCCCAAAGTATTCGGGGTCAGCCTTTTGCACAG	10239	AQSIRGQPFAQ	14828	SIRGQPF	0.002583	-0.07405
GS1835	5651	GCCCAAACCGCCAAATTCAACCAAGGCGCACAG	10240	AQTAKFNQGAQ	14829	TAKFNQG	0.002515	-0.11596
SyS3342	5652	GCCCAATTGATTTCGACGCATGATATGGCACAG	10241	AQLISTHDMAQ	14830	LISTHDM	0.002485	-0.14369
SyS3345	5653	GCCCAACAAAGCAGAGACAACATCAGAGCACAG	10242	AQQSRDNIRAQ	14831	QSRDNIR	0.002214	-0.11916
SyS3346	5654	GCCCAAAACAACGGCAACAAAGGCTTCGCACAG	10243	AQNNGNKGFAQ	14832	NNGNKGF	0.002093	-0.21325
GP315	5655	GCCCAAAATGTGAATTATGATGGGCGGGCACAG	10244	AQNVNYDGRAQ	14833	NVNYDGR	0.001863	-0.07225
GS1841	5656	GCCCAATTCATGAAAGGCGCCAGCGCCGCACAG	10245	AQFMKGASAAQ	14834	FMKGASA	0.001531	-0.15945
SyS3349	5657	GCCCAACTCGCCACCAGCACCCAAATGGCACAG	10246	AQLATSTQMAQ	14835	LATSTQM	0.001488	-0.218
SyS3350	5658	GCCCAAGTTCATGGTGGGTATTCGGCTGCACAG	10247	AQVHGGYSAAQ	14836	VHGGYSA	0.001485	-0.22434
SS254	5659	GCCCAAAGAGGCAGCGAACCCATGCAAGCACAG	10248	AQRGSEPMQAQ	14837	RGSEPMQ	0.001241	-0.3679
GP317	5660	GCCCAAGGTCTGCGTACGAGTGGGACGGCACAG	10249	AQGLRTSGTAQ	14838	GLRTSGT	0.001025	-0.06413
SyS3351	5661	GCCCAACTCTACAAAGGCGGCGTCAGCGCACAG	10250	AQLYKGGVSAQ	14839	LYKGGVS	0.000806	-0.23012
SyS3353	5662	GCCCAAATGAAAACCCACAGCCCCCCCGCACAG	10251	AQMKTHSPPAQ	14840	MKTHSPP	0.000291	-0.09473

도면34a

풍부화_순위 (라이브러리 내)	SEQ ID NO:	서열	SEQ ID NO:	11 mer 아미노산	SEQ ID NO:	7 mer 아미노산	뇌-평균-풍부화 점수 (log10)	뇌-평균-표준화된-리드카운트 (RC)
TS32	14841	GCCCAAAGCAACAGCATCAGACTCGTCGCACAG	14881	AQSNSIRLVAQ	14921	SNSIRLV	0.763114	1.058208
TS70	14842	GCCCAACCCAACACCATCAGAAACGTCGCACAG	14882	AQPNTIRNVAQ	14922	PNTIRNV	0.660528	0.629407
SyS52	14843	GCCCAAACCAGCCTCGGCTACAGCAGCGCACAG	14883	AQTSLGYSSAQ	14923	TSLGYSS	0.727167	0.736367
SyS140	14844	GCCCAAATGGGCGCCGACCACAGAACCGCACAG	14884	AQMGADHRTAQ	14924	MGADHRT	0.548749	0.159265
SyS58	14845	GCCCAAGGTGATAATAGTCTGACTAGGGCACAG	14885	AQGDNSLTRAQ	14925	GDNSLTR	0.717624	0.075033
SyS201	14846	GCCCAAACCCCCCCAAGCCAAGAAATGGCACAG	14886	AQTPQSQEMAQ	14926	TPQSQEM	0.494147	0.127468
SyS61	14847	GCCCAAAGCGGCGTCAGCACCACCGACGCACAG	14887	AQSGVSTTDAQ	14927	SGVSTTD	0.711249	-0.01534
SyS97	14848	GCCCAAGAAGGCCTCGGCAACGCCGCCGCACAG	14888	AQEGLGNAAAQ	14928	EGLGNAA	0.59339	-0.02116
SyS176	14849	GCCCAAATTGCTGAGAATCTGAGTGCTGCACAG	14889	AQIAENLSAAQ	14929	IAENLSA	0.517935	-0.10864
SyS154	14850	GCCCAACTCGGCGACATCACCGGCTTCGCACAG	14890	AQLGDITGFAQ	14930	LGDITGF	0.537047	-0.10198
SyS101	14851	GCCCAAAGTCAGCTGCATAGGTTGCAGGCACAG	14891	AQSQLHRLQAQ	14931	SQLHRLQ	0.588997	-0.13052
SyS45	14852	GCCCAACCTATTATTACTATGCCTGCTGCACAG	14892	AQPIITMPAAQ	14932	PIITMPA	0.767318	-0.10299
SyS205	14853	GCCCAATGGAGCCACAGCGAAAACAGCGCACAG	14893	AQWSHSENSAQ	14933	WSHSENS	0.492196	-0.02126
SyS30	14854	GCCCAATTGACTCAGCAGACGGATGTTGCACAG	14894	AQLTQQTDVAQ	14934	LTQQTDV	0.936974	0.055201
SyS136	14855	GCCCAAGGTATGAGTGGGGTTGCTCAGGCACAG	14895	AQGMSGVAQAQ	14935	GMSGVAQ	0.532736	-0.0578
SyS128	14856	GCCCAAACCGACTAATATTATGCTTGATGCACAG	14896	AQPTNIMLDAQ	14936	PTNIMLD	0.560313	-0.07894
SyS71	14857	GCCCAAAACCCCACCCTCATCACCCTCGCACAG	14897	AQNPTLITLAQ	14937	NPTLITL	0.655924	0.146275
SyS100	14858	GCCCAACCGGGTGGGGGTTTGACTCCGGCACAG	14898	AQPGGGLTPAQ	14938	PGGGLTP	0.591748	-0.07925
SyS134	14859	GCCCAAGATCGTGATTCTGTGCAGAATGCACAG	14899	AQDRDSVQNAQ	14939	DRDSVQN	0.55654	-0.05483
SyS152	14860	GCCCAACTTAATGGGTTGAATGTGTCTGCACAG	14900	AQLNGLNVSAQ	14940	LNGLNVS	0.537505	-0.02999
SyS68	14861	GCCCAAGCCCAAACCAGCAACGACCCCGCACAG	14901	AQAQTSNDPAQ	14941	AQTSNDP	0.669325	0.289379
SyS137	14862	GCCCAATCTGCGCCTAATGTGACTATTGCACAG	14902	AQSAPNVTIAQ	14942	SAPNVTI	0.551278	0.041441
SyS129	14863	GCCCAACCCAACATGAGCGCCATGATCGCACAG	14903	AQPNMSAMIAQ	14943	PNMSAMI	0.559451	0.270198
GS64	14864	GCCCAATACAGCGCCGACAAAACCACCGCACAG	14904	AQYSADKTTAQ	14944	YSADKTT	0.583168	0.057165

도면34b

SyS48	14865	GCCCAACGTGTGGATGCGGTTTTGAGTGCACAG	14905	AQRVDAVLSAQ	14945	RVDAVLS	0.750458	0.650222
SyS138	14866	GCCCCAAGGCACCGCCGTCTTCACCGCCCGCACAG	14906	AQGTAVFTAAQ	14946	GTAVFTA	0.549912	0.15966
SyS83	14867	GCCCCAAACCCTCAGCGGCGCCCTCACCGCACAG	14907	AQTLSGALTAQ	14947	TLSGALT	0.628275	0.306806
SyS59	14868	GCCCCAACACGCCGACAACAGACTCAAAGCACAG	14908	AQHADNRLKAQ	14948	HADNRLK	0.714815	-0.04579
SyS173	14869	GCCCCAAACTCAGGGTCCGGGTCCGAAGGCACAG	14909	AQTQGPGPKAQ	14949	TQGPGPK	0.522239	0.297383
SyS148	14870	GCCCCAAGTCGACGCCCTCAGCCACATGGCACAG	14910	AQVDALSHMAQ	14950	VDALSHM	0.539694	0.216373
SyS162	14871	GCCCCAACGGAATGATGCGATTCTGAATGCACAG	14911	AQRNDAILNAQ	14951	RNDAILN	0.53456	0.251531
SP47	14872	GCCCCAATTGACGGTGGCGGTTGAGACTGCACAG	14912	AQLTVAVETAQ	14952	LTVAVET	0.139972	-0.05361
SS33	14873	GCCCCAAAGCCAAGCCATCGCCCCCCAAAGCACAG	14913	AQSQAIAPKAQ	14953	SQAIAPK	0.51343	-0.30374
GS29	14874	GCCCCAAGTCCTCAGCGTCAACCACCTTCGCACAG	14914	AQVLSVNHLAQ	14954	VLSVNHL	0.765014	0.050802
SyS84	14875	GCCCCAAAGCATCTACTACCACACCGAAGCACAG	14915	AQSIYYHTEAQ	14955	SIYYHTE	0.618441	-0.07907
GS45	14876	GCCCCAAATGAACATCCTCAGAGAAGTCGCACAG	14916	AQMNILREVAQ	14956	MNILREV	0.654097	-0.09985
GS84	14877	GCCCCAAAATATGCTTAAGCAGAGTGAGGCACAG	14917	AQNMLKQSEAQ	14957	NMLKQSE	0.537354	-0.06179
GS113	14878	GCCCAATTCATGCCCATCAGCAGCGCCGCACAG	14918	AQFMPISSAAQ	14958	FMPISSA	0.50124	-0.12446
GS27	14879	GCCCAAAAGAATGCTCCGATGCCTGATGCACAG	14919	AQKNAPMPDAQ	14959	KNAPMPD	0.772397	0.130152
GS117	14880	GCCCAAACCAACTACGACCTCAGAGCCGCACAG	14920	AQTNYDLRAAQ	14960	TNYDLRA	0.494623	-0.03099

도면35a

풍부화_ 순위 (라이브러리 내)	SEQ ID NO:	서열 (11 mer AA에 대해)	SEQ ID NO:	11 mer 아미노산	간-평균-풍부화 점수 (log10)
TS1	14961	GCCCAAAAAGCCTACAGCGTCCAAGTCGCACAG	15054	AQKAYSVQVAQ	1.15776
TS2	14962	GCCCAAAGAACCGCCAACGCCCTCGGCGCACAG	15055	AQRTANALGAQ	0.802247
TS3	14963	GCCCAAGTGACGGGGGTTCGGATTGGGGCACAG	15056	AQVTGVRIGAQ	0.75699
TS4	14964	GCCCAACCGCGCCGGTGTCGAATGGGGCACAG	15057	AQPRPVSNGAQ	0.7305
TS5	14965	GCCCAATTCAGCGTCACCAGACAAGCCGCACAG	15058	AQFSVTRQAAQ	0.718621
TS6	14966	GCCCAATACCCCCACATGACCCACGACGCACAG	15059	AQYPHMTHDAQ	0.655794
TS7	14967	GCCCAAAGCAGCAGACTCAGCGTCGGCGCACAG	15060	AQSSRLSVGAQ	0.637971
TS8	14968	GCCCAACCGTTGAGTGGGGTGTTCGTGCACAG	15061	AQPLSGGVRAQ	0.598554
TS9	14969	GCCCAAGGGCTGAAGGTGTCTGGGTCTGCACAG	15062	AQGLKVSGSAQ	0.569576
TS10	14970	GCCCAAAGCACCAGAAACGTCGTCGGCGCACAG	15063	AQSTRNVVGAQ	0.532567
TS11	14971	GCCCAAAGCGCGGCGCACCAGAGAAGGCGCACAG	15064	AQSGGTREGAQ	0.501512
SyS1	14972	GCCCAAGGGCTGAAGGTGTCTGGGTCTGCACAG	15065	AQGLKVSGSAQ	0.777335
SyS2	14973	GCCCAAAACAACAACCAAAAAGTCTACGCACAG	15066	AQNNNQKVYAQ	0.610002
SyS3	14974	GCCCAAAGGCTTGATAGGACTGGTTTGGCACAG	15067	AQRLDRTGLAQ	0.588542
SyS4	14975	GCCCAAGTGGCGGGTCTGACTGTTCAGGCACAG	15068	AQVAGLTVQAQ	0.581695
SyS5	14976	GCCCAACATTCTGCGAAGACTATTGCGGCACAG	15069	AQHSAKTIAAQ	0.579949
SyS6	14977	GCCCAAAGCATCAGAGCCCCCGTCAGCGCACAG	15070	AQSIRAPVSAQ	0.572426
SyS7	14978	GCCCAACCCGTCGGCACCAGAACCAGCGCACAG	15071	AQPVGTRTSAQ	0.560759
SyS8	14979	GCCCAAATCAACACCGCCAGCTACAAAGCACAG	15072	AQINTASYKAQ	0.542125
SyS9	14980	GCCCAAGGGAGGACGGTGCAGATAGGGCACAG	15073	AQGRTVQDRAQ	0.528631
SyS10	14981	GCCCAAAGACTCACCAACAGCAACCAAGCACAG	15074	AQRLTNSNQAQ	0.516161
SyS11	14982	GCCCAAATGATCAGAGGCACCAGCAGCGCACAG	15075	AQMIRGTSSAQ	0.512891

도면35b

SyS12	14983	GCCCAATTTTCTGGTAGTGCTAGGGTTGCACAG	15076	AQFSGSARVAQ	0.509852
SyS13	14984	GCCCAACGTCAGCATCAGCTTCCTATGGCACAG	15077	AQRQHQLPMAQ	0.505918
SyS14	14985	GCCCAACCCCTCAGAAACATCAGCGCCGCACAG	15078	AQPLRNISAAQ	0.50497
SS1	14986	GCCCAACCGTATAGTGGGCAGCGGACTGCACAG	15079	AQPYSGQRTAQ	0.84953
SS2	14987	GCCCAACCTTCTGGTTCTGCGCGGAGTGCACAG	15080	AQPSGSARSAQ	0.82811
SS3	14988	GCCCAACCGCGTCATGCGACTCAGTCGGCACAG	15081	AQPRHATQSAQ	0.711312
SS4	14989	GCCCAATCGAAGGTTACGCCTCCTCTGGCACAG	15082	AQSKVTPPLAQ	0.687491
SS5	14990	GCCCAAAATACTTCTGGTGTGCCTAAGGCACAG	15083	AQNTSGVPKAQ	0.684638
SS6	14991	GCCCCAAACCAGAAGCGAAGTCATGAAAGCACAG	15084	AQTRSEVMKAQ	0.683884
SS7	14992	GCCCCAACGGACGGATGTGCGGACGAATGCACAG	15085	AQRTDVRTNAQ	0.682169
SS8	14993	GCCCCAAATGCTCAGCGGCCAAGCCAGAGCACAG	15086	AQMLSGQARAQ	0.668364
SS9	14994	GCCCCAATCTATGCTTACGAGTATTGTTGCACAG	15087	AQSMLTSIVAQ	0.665818
SS10	14995	GCCCCAACTTAGGGGTTCTGCTCAGGTGGCACAG	15088	AQLRGSAQVAQ	0.648123
SS11	14996	GCCCCAAAAAGCCATCAGCACCGCCAACGCACAG	15089	AQKAISTANAQ	0.616958
SS12	14997	GCCCCAAATCAGCGGCGTCCAAACCAGAGCACAG	15090	AQISGVQTRAQ	0.615015
SS13	14998	GCCCCAAAAGCGGGCGCCTGCTGATTCTGCACAG	15091	AQKRAPADSAQ	0.611303
SS14	14999	GCCCCAAGCTAATGCGATGGGTGATCATGCACAG	15092	AQANAMGDHAQ	0.611245
SS15	15000	GCCCCAAAACACCCTCATCAACGTCAGCGCACAG	15093	AQNTLINVSAQ	0.607212
SS16	15001	GCCCCAATGGTCTGATCCTAGTGATCTGGCACAG	15094	AQWSDPSDLAQ	0.59828
SS17	15002	GCCCCAAGAATCAGCACCCTCGGCCTCGCACAG	15095	AQRISTLGLAQ	0.595844
SS18	15003	GCCCCAATTTAAGGTTAGTATTCAGCAGGCACAG	15096	AQFKVSIQQAQ	0.591275
SS19	15004	GCCCCAACTTTCTACTGCGTTGACTGTGGCACAG	15097	AQLSTALTVAQ	0.591029
SS20	15005	GCCCCAAGCCGAATACAACACCGGCGTCGCACAG	15098	AQAEYNTGVAQ	0.585999
SS21	15006	GCCCCAAATTTCGGCTTCTCATTCTCGTGCACAG	15099	AQISASHSRAQ	0.574424
SS22	15007	GCCCCAAGTCAACAGCCACGAAAGAGCCGCACAG	15100	AQVNSHERAAQ	0.573043
SS23	15008	GCCCCAAGGTCTTCAGTCGGCCGAGGTCTGCACAG	15101	AQGLQSPRSAQ	0.572095
SS24	15009	GCCCCAAGGGGCTGCTGGTAAGAGTTTGGCACAG	15102	AQGAAGKSLAQ	0.571307
SS25	15010	GCCCCAACTCAGCAACAGCGCCAGCCAAGCACAG	15103	AQLSNSASQAQ	0.569105
SS26	15011	GCCCCAAAAACTCAGCACCCTCCACCAAGCACAG	15104	AQKLSTLHQAQ	0.568791
SS27	15012	GCCCCAAATGAGAGGCCAAGGCGTCCACGCACAG	15105	AQMRGQGVHAQ	0.567657

도면35c

SS28	15013	GCCCAACTTCCGGTGGTGCGAGGTTGGCACAG	15106	AQLPGGARLAQ	0.564086
SS29	15014	GCCCAACTTGGTTCTGCGCTTACGAGGGCACAG	15107	AQLGSALTRAQ	0.563314
SS30	15015	GCCCAAGGCACCACCAGAAGCCCCACCGCACAG	15108	AQGTTRSPTAQ	0.560705
SS31	15016	GCCCAAGGTCATATTTCGGCGCTTGCGGCACAG	15109	AQGHISALAAQ	0.552655
SS32	15017	GCCCAATCGATTTCTCCTCCTCGTACGGCACAG	15110	AQSISPPRTAQ	0.550578
SS33	15018	GCCCAATTTCAGCAGGATACTTATCTGGCACAG	15111	AQFQQDTYLAQ	0.548808
SS34	15019	GCCCAACTTCTTGCGACTGGCTTAAGGCACAG	15112	AQLLATGLKAQ	0.545453
SS35	15020	GCCCAACTTAAGGTTGCGTCTGGTTTGGCACAG	15113	AQLKVASGLAQ	0.540598
SS36	15021	GCCCAATTCGACAACCCCAACAACGTCGCACAG	15114	AQFDNPNNVAQ	0.539231
SS37	15022	GCCCAATACCTCACCAGCGGCGGCTACGCACAG	15115	AQYLTSGGYAQ	0.538789
SS38	15023	GCCCAAGAGACACCGTCAGCAGATACGGCACAG	15116	AQRDTVSRYAQ	0.535765
SS39	15024	GCCCAAATCAACAAAGACAACAACCAAGCACAG	15117	AQINKDNNQAQ	0.531458
SS40	15025	GCCCAAATGGCCAACACCAGAAGCGCCGCACAG	15118	AQMANTRSAAQ	0.525721
SS41	15026	GCCCAAGAAAGCATCCAACAACTCAGCGCACAG	15119	AQESIQQLSAQ	0.525712
SS42	15027	GCCCAACTCACCAGAGTCGGCACCGTCGCACAG	15120	AQLTRVGTVAQ	0.520831
SS43	15028	GCCCAAGTCCAAGTCGCCATGAGAGCCGCACAG	15121	AQVQVAMRAAQ	0.520831
SS44	15029	GCCCAAACGGCTGCGCATGTTAGTTATGCACAG	15122	AQTAAHVSYAQ	0.520336
SS45	15030	GCCCAACCCAGCCACGCCAGAGCCAGCGCACAG	15123	AQPSHARASAQ	0.520336
SS46	15031	GCCCAAAATGTGCCGACTTCGCCGCGGGCACAG	15124	AQNVPTSPRAQ	0.520245
SS47	15032	GCCCAAAAAACCCAACTCGGCCAAATGGCACAG	15125	AQKTQLGQMAQ	0.519843
SS48	15033	GCCCAAAAAGCCAACAGCCAAATCACCGCACAG	15126	AQKANSQITAQ	0.519425
SS49	15034	GCCCAAAACAACAGCGGCCACATCAGCGCACAG	15127	AQNNSGHISAQ	0.518228
SS50	15035	GCCCAATTTCTCTTACTTCGGATCCGGCACAG	15128	AQFLLTSDPAQ	0.515975
SS51	15036	GCCCAAGTTAAGACTGATCGGGTTCTGGCACAG	15129	AQVKTDRVLAQ	0.51183
SS52	15037	GCCCAAGTCAGCATCAGCGTCATGGCGCACAG	15130	AQVSISVMGAQ	0.510987
SS53	15038	GCCCAAGCCGGCCTCGCCCACGCCACCGCACAG	15131	AQAGLAHATAQ	0.510068
SS54	15039	GCCCAACGGACTACGGCTAATTCGCTTGCACAG	15132	AQRTTANSLAQ	0.509233
SS55	15040	GCCCAATCGGTTCCTCCGAATAGGAATGCACAG	15133	AQSVPPNRNAQ	0.508166
SS56	15041	GCCCAACACAGCGGCCCCACCAGCAGCGCACAG	15134	AQHSGPTSSAQ	0.505295
SS57	15042	GCCCAAAAAACCAACAACACCGTCCTCGCACAG	15135	AQKTNNTVLAQ	0.504377

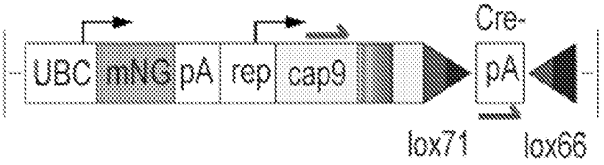
도면35d

SS58	15043	GCCCAACCCGCCAGAATCCCGGCAGCGCACAG	15136	AQPARIPGSAQ	0.50309
SS59	15044	GCCCAATTGTCTGCTCAGCTTCCGCGGGCACAG	15137	AQLSAQLPRAQ	0.503052
SS60	15045	GCCCAAGTTGGTTCTAGTAATACGTATGCACAG	15138	AQVGSSNTYAQ	0.502229
SS61	15046	GCCCAACTCATCAGCACCACCCACAGAGCACAG	15139	AQLISTTHRAQ	0.502083
GS1	15047	GCCCAATATGTTAATAGTGCTCCGAAGGCACAG	15140	AQYVNSAPKAQ	0.551681
GS2	15048	GCCCAAAACAACAACCAAAAAGTCTACGCACAG	15141	AQNNNQKVYAQ	0.532399
Gs3	15049	GCCCAAGGCACCAAAACCCACAGCCTCGCACAG	15142	AQGTKTHSLAQ	0.518459
GS4	15050	GCCCAACCCATCAGCGCCAACAGACTCGCACAG	15143	AQPISANRLAQ	0.512571
GS5	15051	GCCCAACACCCCAGCCTCAGACAAAGCGCACAG	15144	AQHPSLRQSAQ	0.508478
GS6	15052	GCCCAACCCAACAGAGCCGCCAACAACGCACAG	15145	AQPNRAANNAQ	0.508143
GS7	15053	GCCCAACCCAGCCACGCCAGAGCCAGCGCACAG	15146	AQPSHARASAQ	0.504054

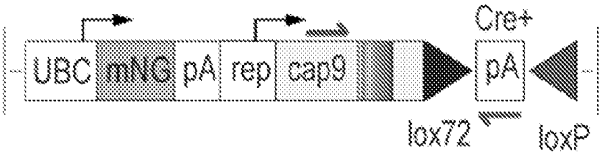
도면36

수용자 벡터: **rAAV-ΔCap**-인-시스-**lox2**

Cre- 세포에서

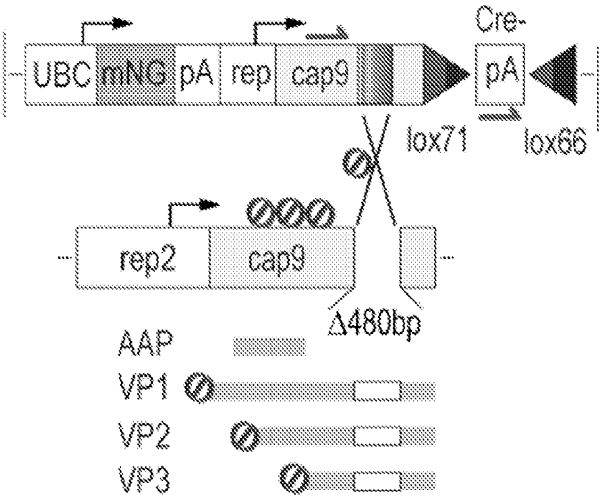


Cre+ 세포에서

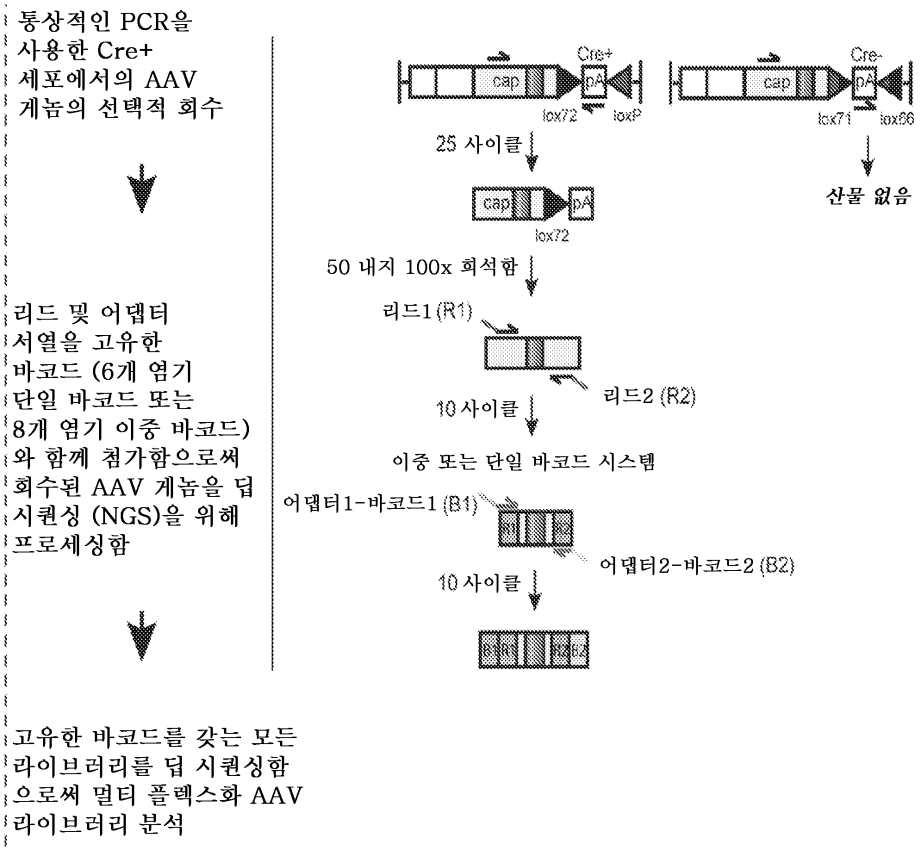


Cre 의존성 Cap 회수

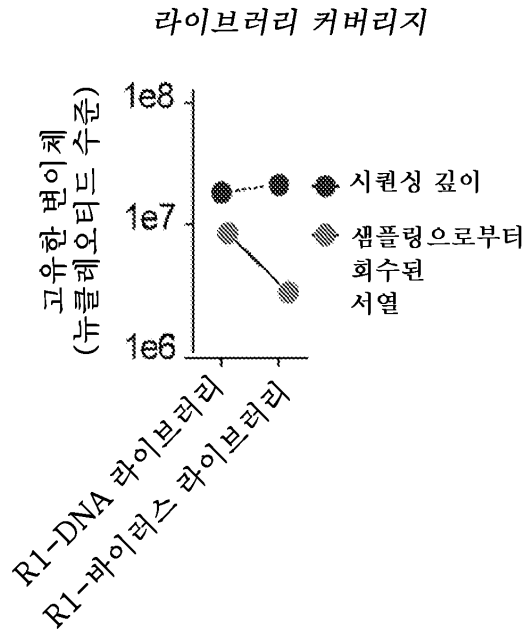
Rep-AAPΔCap 벡터: **Rep-AAP-ΔCap**-인-트랜스



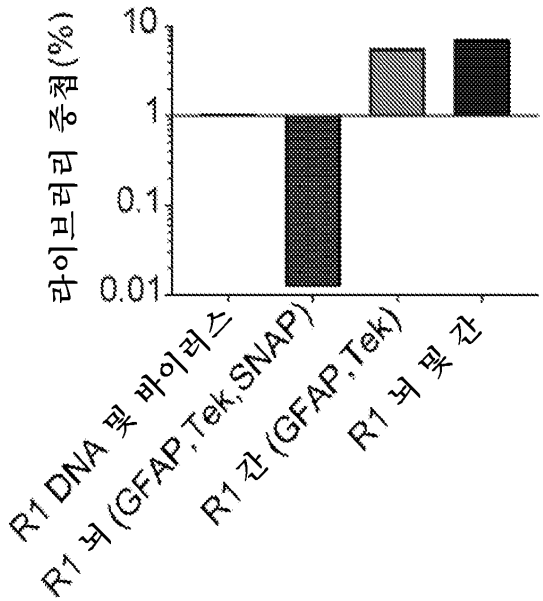
도면37


통상적인 PCR을 사용한 Cre+ 세포에서의 AAV 게놈의 선택적 회수
Cre+
cap
pA
lox72
loxP
Cre-
lox71
lox66
25 사이클
산물 없음
50 내지 100x 희석함
리드 및 어댑터 서열을 고유한 바코드 (6개 염기 단일 바코드 또는 8개 염기 이중 바코드)와 함께 첨가함으로써 회수된 AAV 게놈을 딥 시퀀싱 (NGS)을 위해 프로세싱함
리드1 (R1)
리드2 (R2)
10 사이클
이중 또는 단일 바코드 시스템
어댑터1-바코드1 (B1)
어댑터2-바코드2 (B2)
10 사이클
고유한 바코드를 갖는 모든 라이브러리를 딥 시퀀싱함으로써 멀티 플렉스화 AAV 라이브러리 분석
딥 시퀀싱
라이브러리 A
라이브러리 B
라이브러리 C
B1
R1
R2
B2
B3
B4
B5
B6
GCCA..NNNNNNNNNNNNNNNN..CACTA
GCAT..CCGAAACTATCCTCCGCAGCA..CACTA
GCAT..CTCAGGGCAATCCTACCGAGCA..CACTA
GCAT..GCCAGCCCATCTCTCCGACA..CACTA
GCAT..CACAGACCATCTCTCCAGCA..CACTA
GCAT..CACAGACCATCTCTCCAGCA..CACTA
GCAT..CACAGACCATCTCTCCAGCA..CACTA
GCAT..CACAGACCATCTCTCCAGCA..CACTA

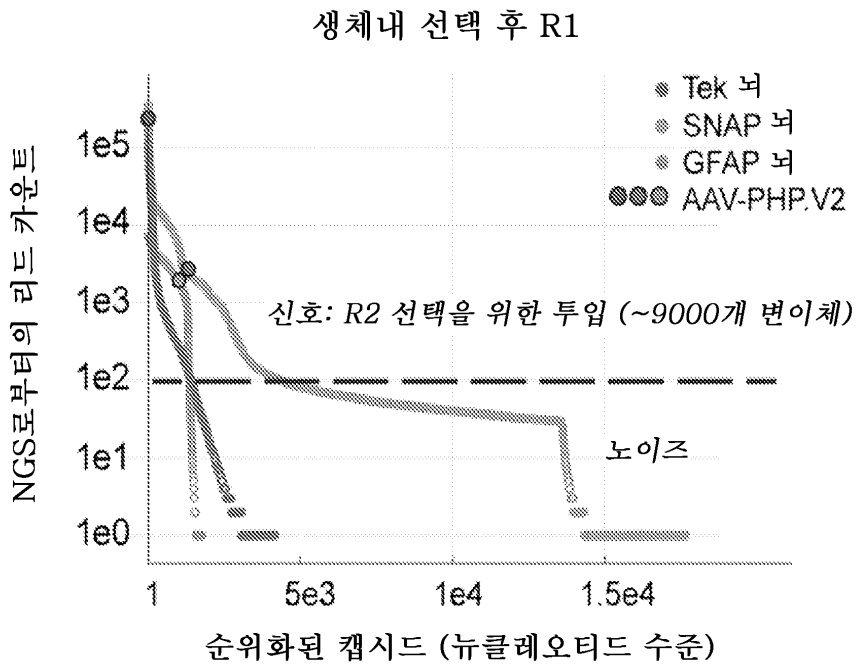
도면38


라이브러리 커버리지
고유한 변이체
(뉴클레오티드 수준)
1e8
1e7
1e6
시퀀싱 깊이
샘플링으로부터
회수된
서열
R1-DNA 라이브러리
R1-바이러스 라이브러리

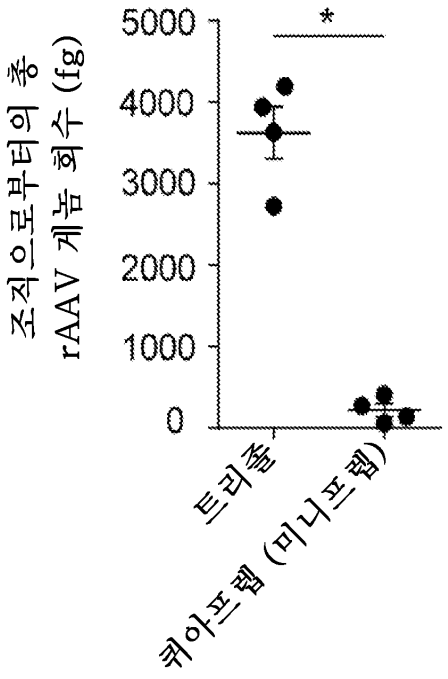
도면39


라이브러리 증폭(%)
10
1
0.1
0.01
R1 DNA 및 바이러스
R1 뇌 (GFAP,Tek,SNAP)
R1 간 (GFAP,Tek)
R1 뇌 및 간

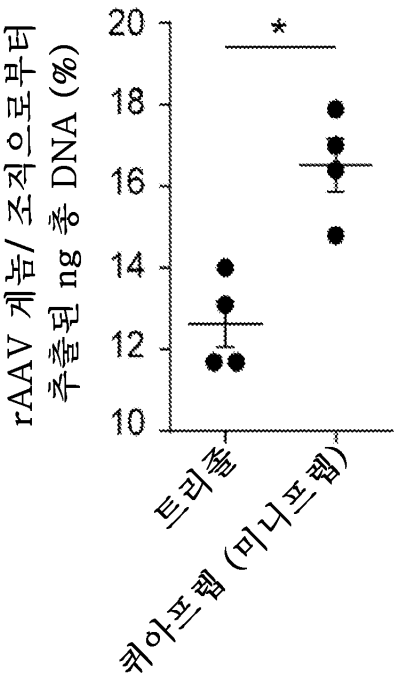
도면40


생체내 선택 후 R1
Tek 뇌
SNAP 뇌
GFAP 뇌
AAV-PHP.V2
NGS로부터의 리드 카운트
1e5
1e4
1e3
1e2
1e1
1e0
신호: R2 선택을 위한 투입 (~9000개 변이체)
노이즈
1
5e3
1e4
1.5e4
순위화된 캡시드 (뉴클레오티드 수준)

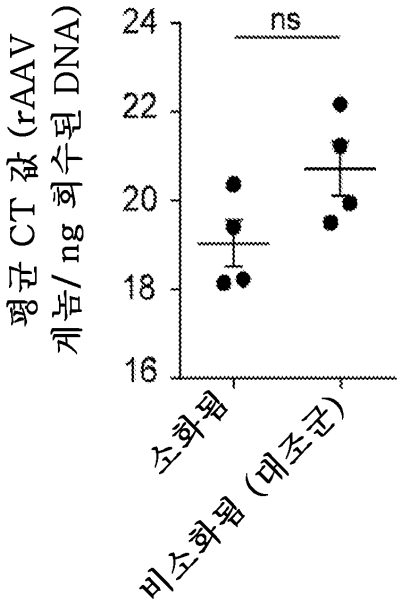
도면41


조직으로부터의 총
rAAV 게놈 회수 (fg)
5000
4000
3000
2000
1000
0
*
트리졸
퀴아프렙 (미니프렙)

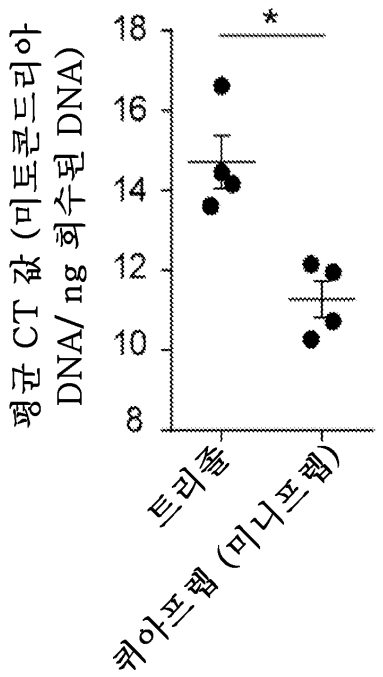
도면42


rAAV 게놈/ 조직으로부터
추출된 ng 총 DNA (%)
20
18
16
14
12
10
*
트리졸
퀴아프렙 (미니프렙)

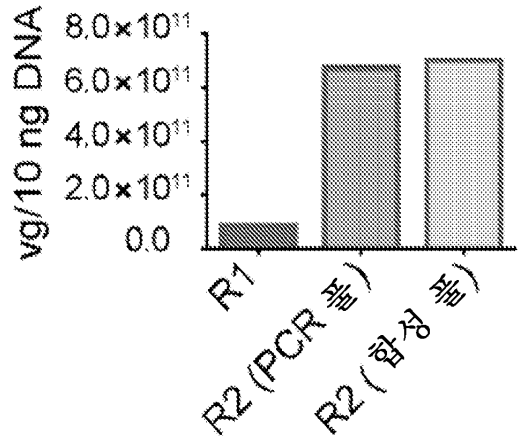
도면43


평균 CT 값 (rAAV
게놈/ ng 회수된 DNA)
24
22
20
18
16
ns
소화됨
비소화됨 (대조군)

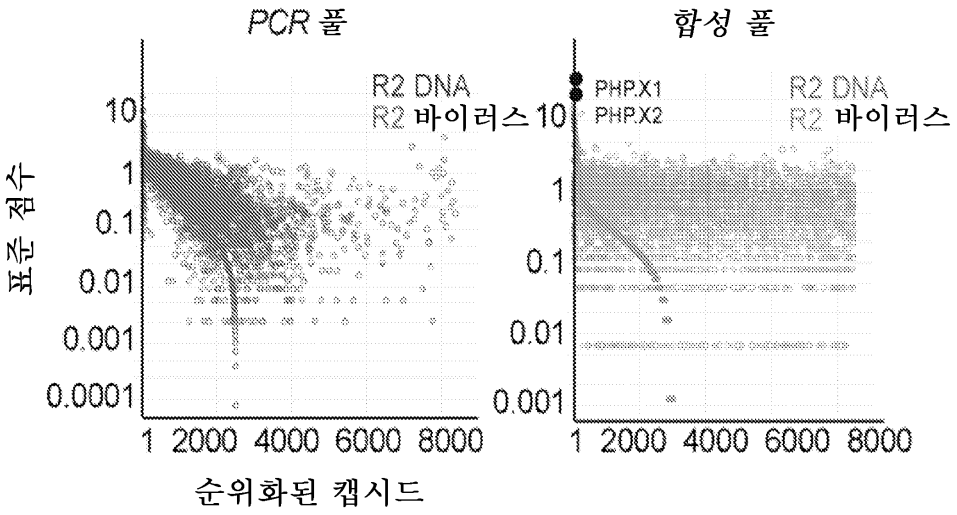
도면44


평균 CT 값 (미토콘드리아 DNA/ ng 회수된 DNA)
18
16
14
12
10
8
*
트리졸
퀴아프랩 (미니프랩)

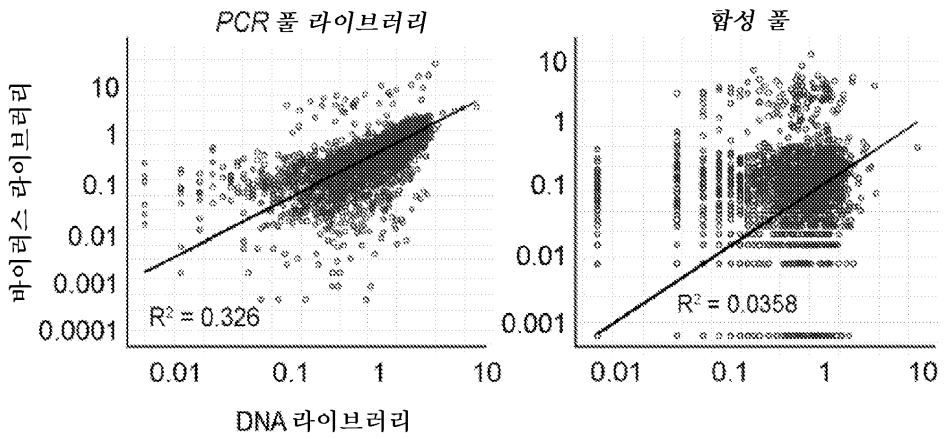
도면45


vg/10 ng DNA
8.0×10^11
6.0×10^11
4.0×10^11
2.0×10^11
0.0
R1
R2 (PCR 풀)
R2 (합성 풀)

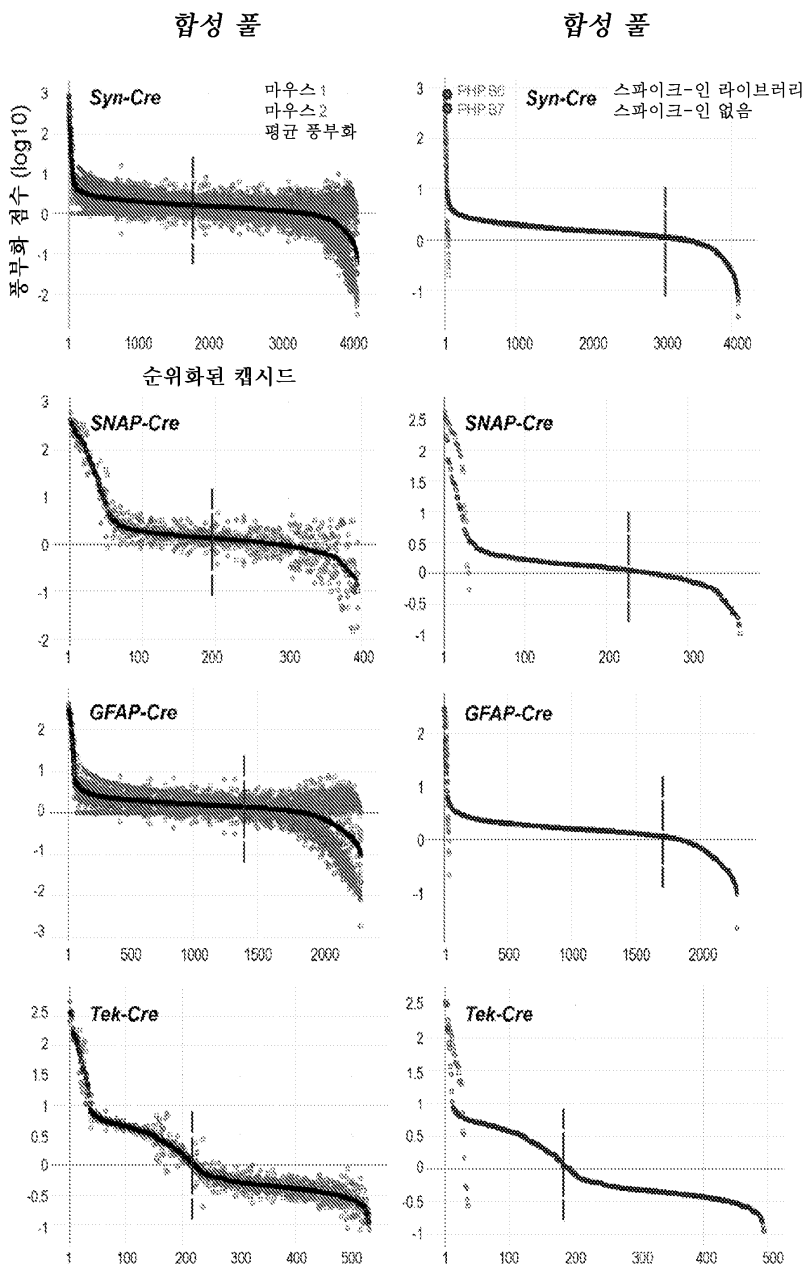
도면46


PCR 풀
합성 풀
R2 DNA
R2 바이러스
PHP.X1
PHP.X2
표준 점수
10
1
0.1
0.01
0.001
0.0001
1 2000 4000 6000 8000
순위화된 캡시드

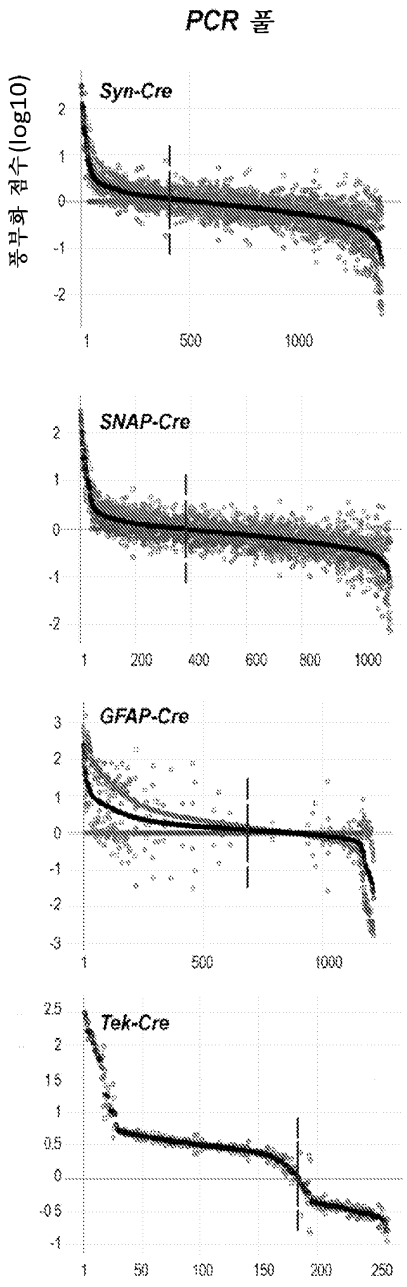
도면47


PCR 풀 라이브러리
합성 풀
바이러스 라이브러리
10
1
0.1
0.01
0.001
0.0001
R² = 0.326
R² = 0.0358
0.01
0.1
1
10
DNA 라이브러리

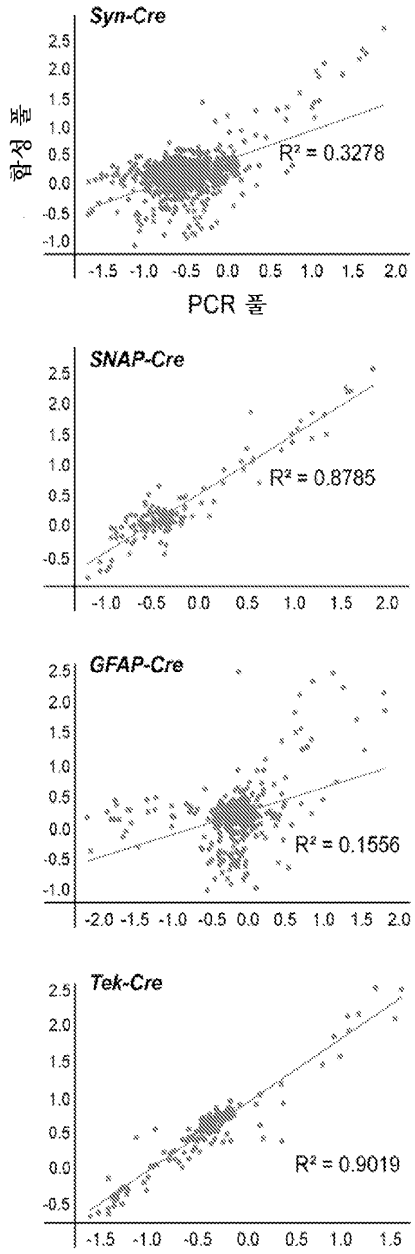
도면48a


합성 풀
합성 풀
Syn-Cre
마우스1
마우스2
평균 풍부화
풍부화 점수 (log10)
PHP.S6
PHP.S7
Syn-Cre
스파이크-인 라이브러리
스파이크-인 없음
순위화된 캡시드
SNAP-Cre
SNAP-Cre
GFAP-Cre
GFAP-Cre
Tek-Cre
Tek-Cre

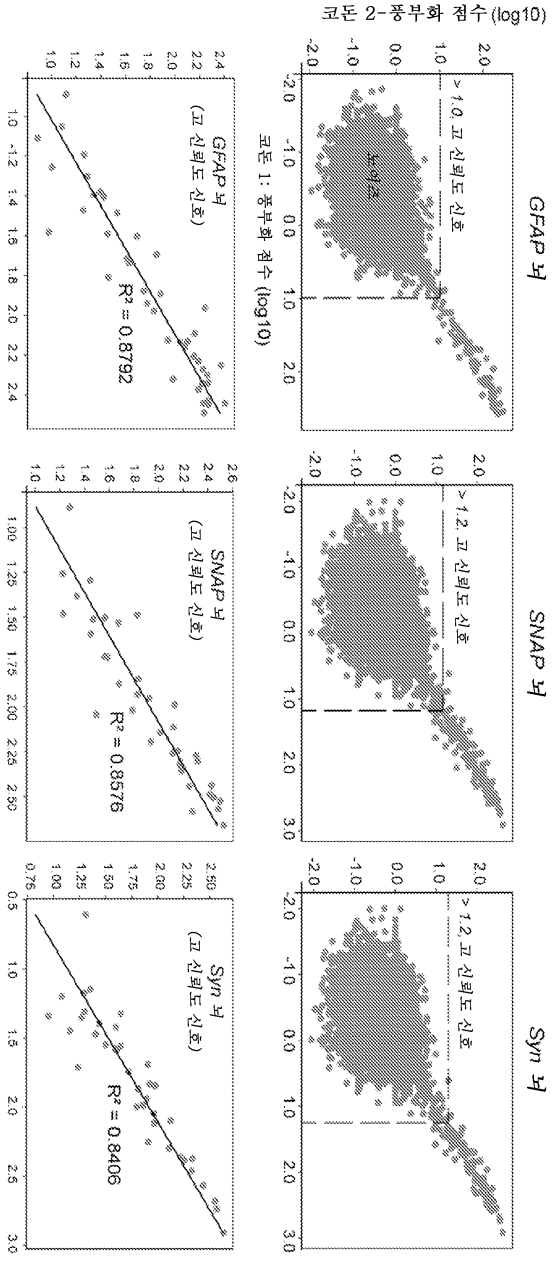
도면48b



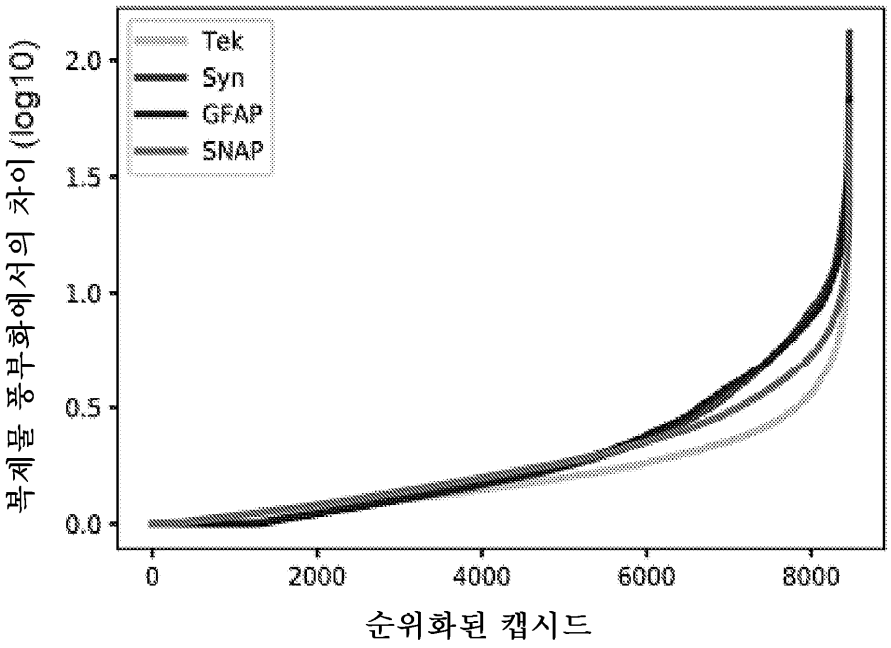
도면49


Syn-Cre
합성 풀
PCR 풀
R² = 0.3278
SNAP-Cre
R² = 0.8785
GFAP-Cre
R² = 0.1556
Tek-Cre
R² = 0.9019

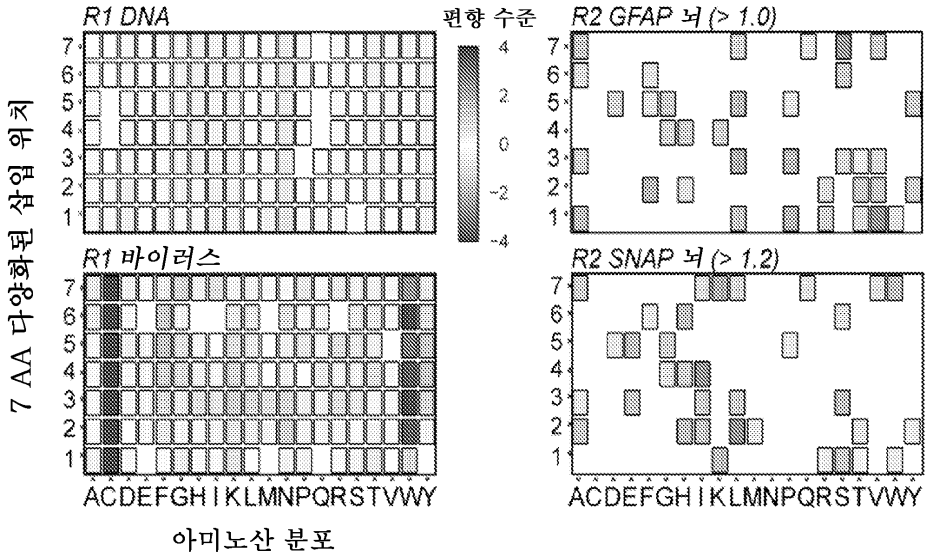
도면50


코돈 2-풍부화 점수 (log10)
GFAP 뉴런
> 1.0, 고 신뢰도 신호
뉴런군
코돈 1: 풍부화 점수 (log10)
GFAP 뉴런
(고 신뢰도 신호)
R² = 0.8792
SNAP 뉴런
> 1.2, 고 신뢰도 신호
SNAP 뉴런
(고 신뢰도 신호)
R² = 0.8576
Syn 뉴런
> 1.2, 고 신뢰도 신호
Syn 뉴런
(고 신뢰도 신호)
R² = 0.8406

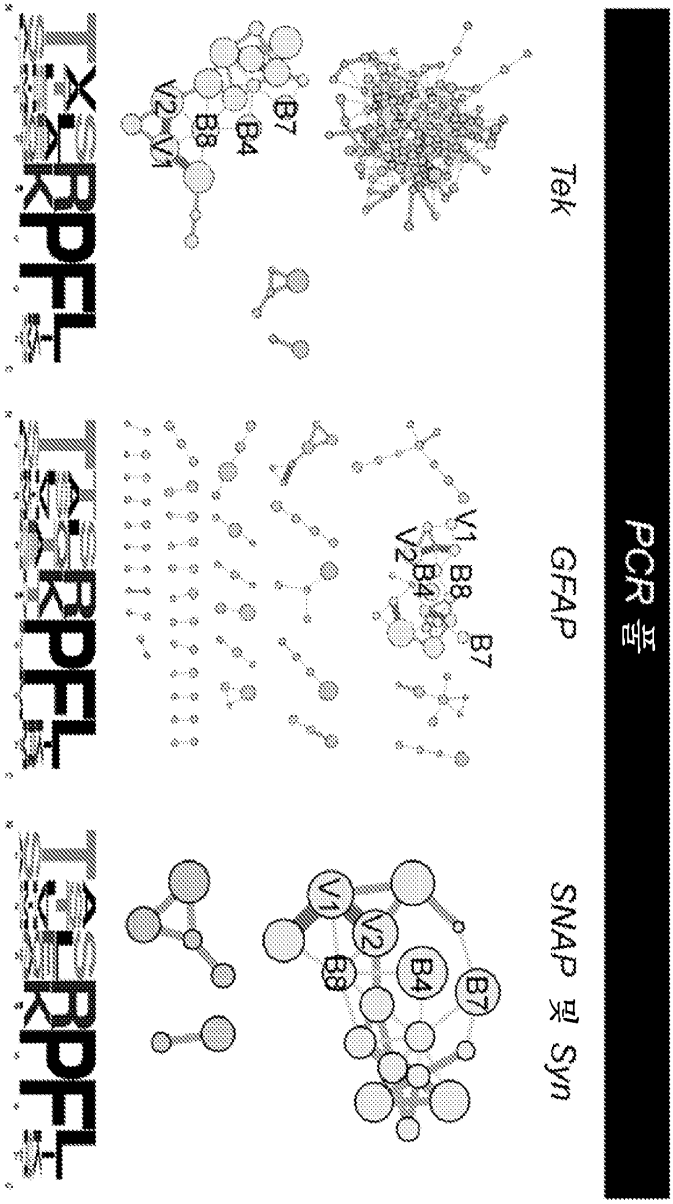
도면51


Tek
Syn
GFAP
SNAP
복제물 풍부화에서의 차이 (log10)
2.0
1.5
1.0
0.5
0.0
0
2000
4000
6000
8000
순위화된 캡시드

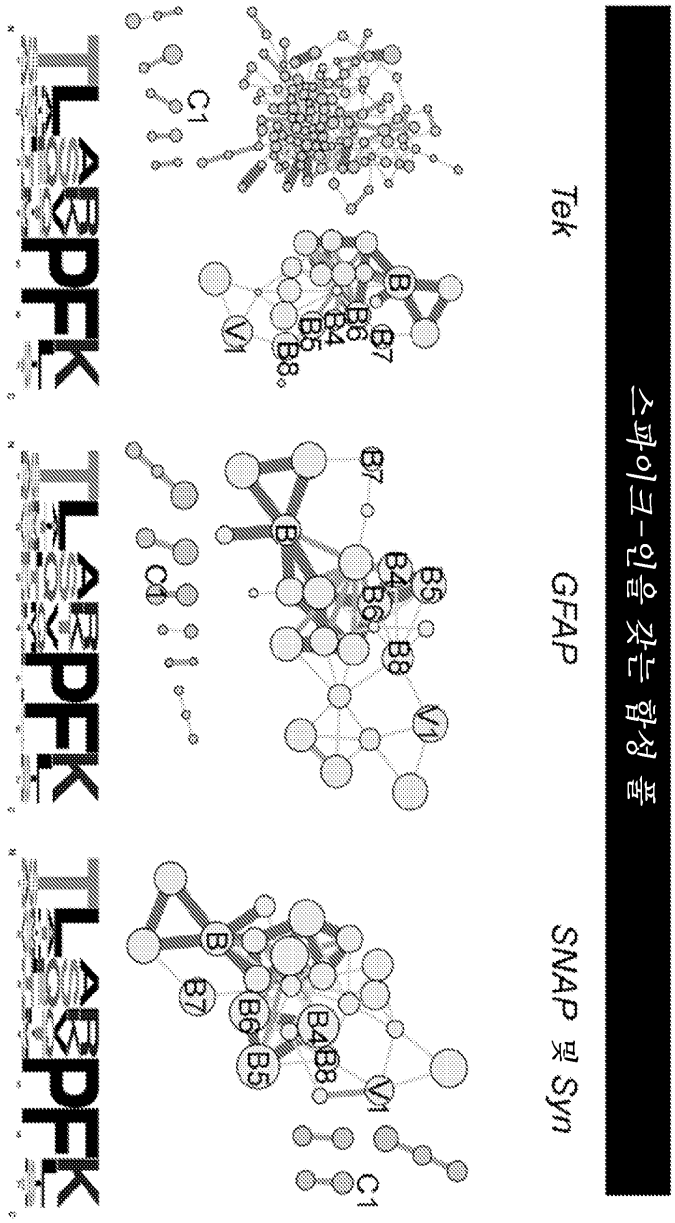
도면52


R1 DNA
편향 수준
R2 GFAP 뇌 (> 1.0)
R1 바이러스
R2 SNAP 뇌 (> 1.2)
7 AA 다양화된 삽입 위치
ACDEFGHIKLMNPQRSTVWY
아미노산 분포

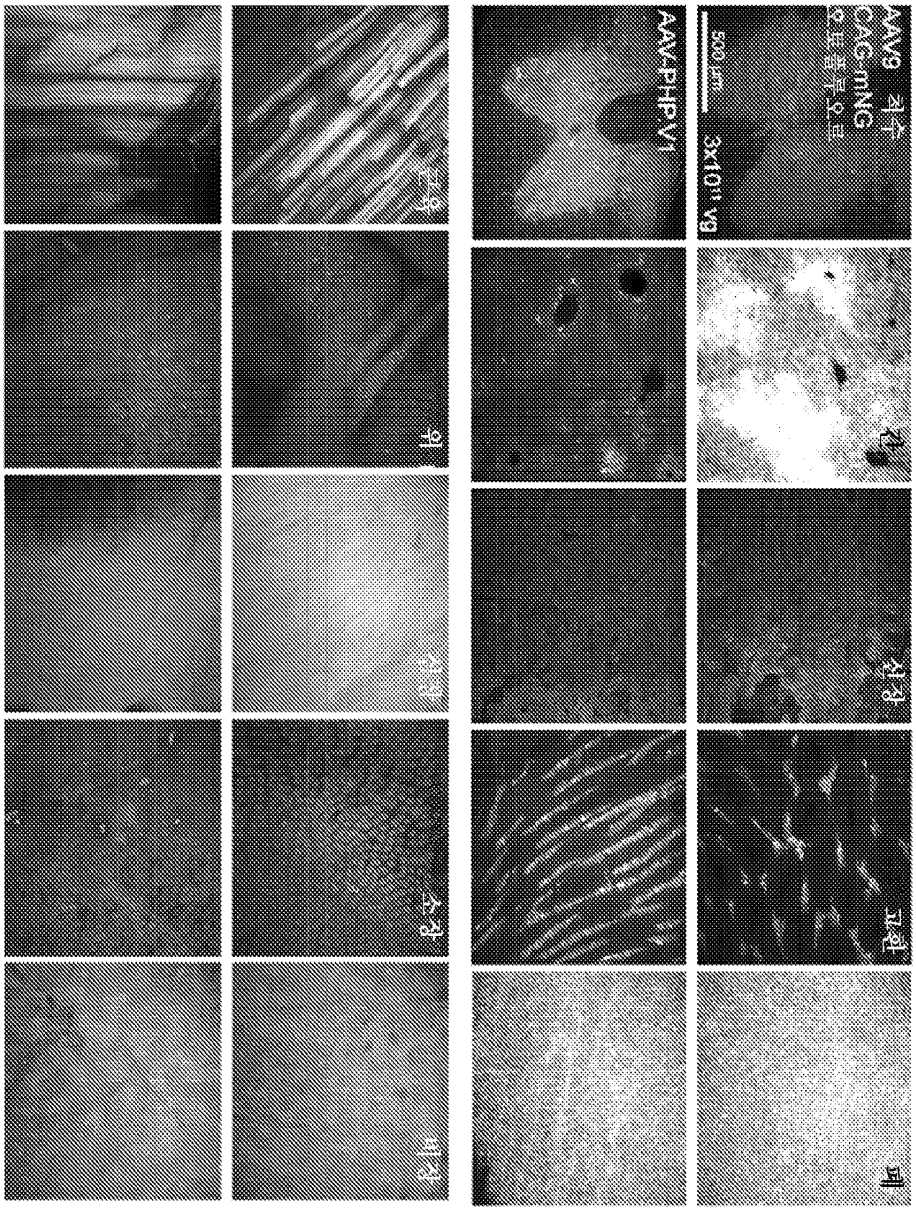
도면53a



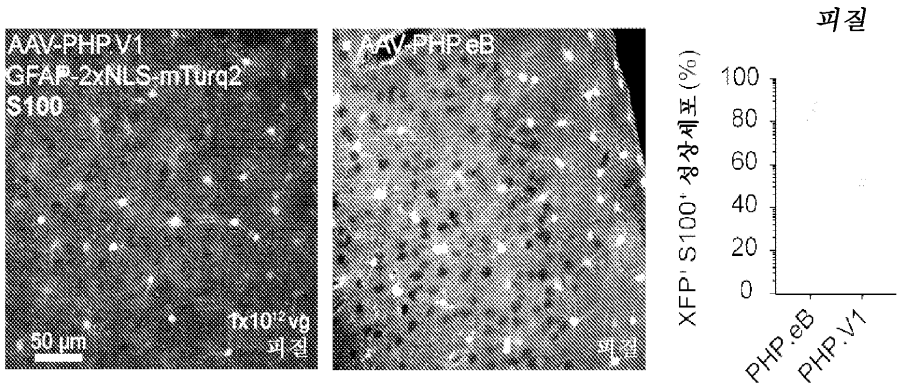
도면53b



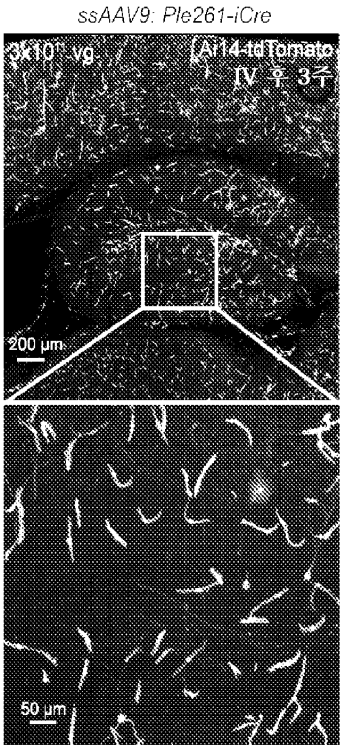
도면54


AAV9 좌우
CAG-hNG
3x10¹¹ vg
50 μm
AAV-PHP.V1
폐
간
신장
부신
고환
심장
비장

도면55

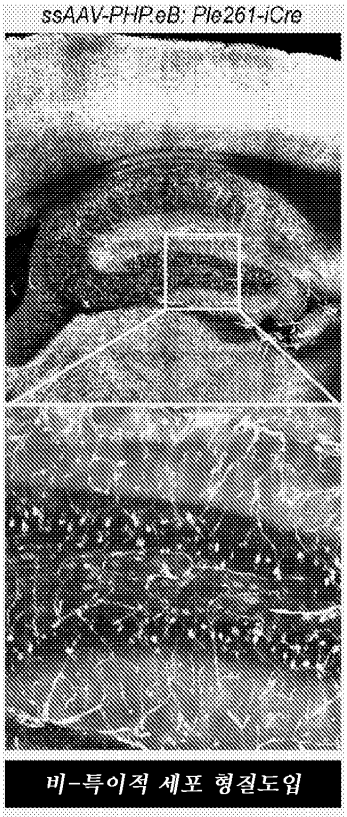

AAV-PHP.V1
GFAP-2xNLS-mTurq2
S100
1x10¹² vg
50 μm
뇌 절
AAV-PHP.eB
척수
피질
XFP⁺ S100⁺ 성상세포 (%)
100
80
60
40
20
0
PHP.eB
PHP.V1

도면56



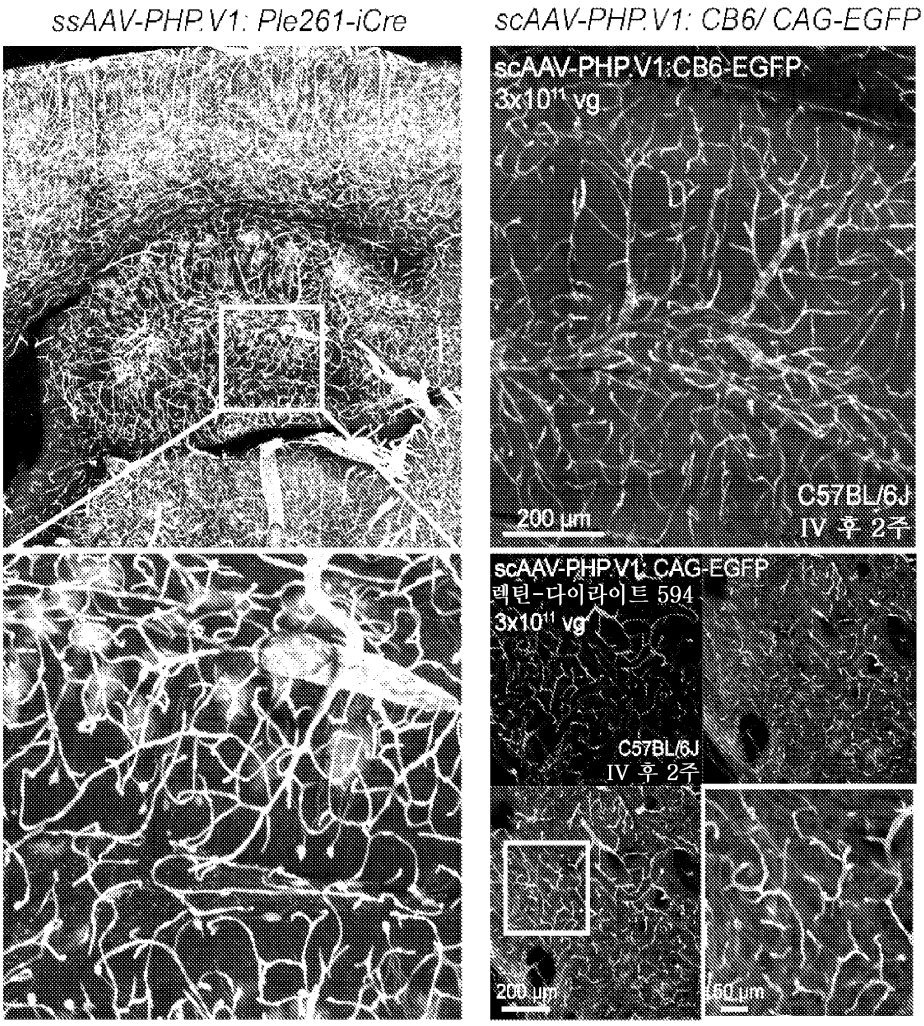
제한된 혈관 세포 형질도입

도면57



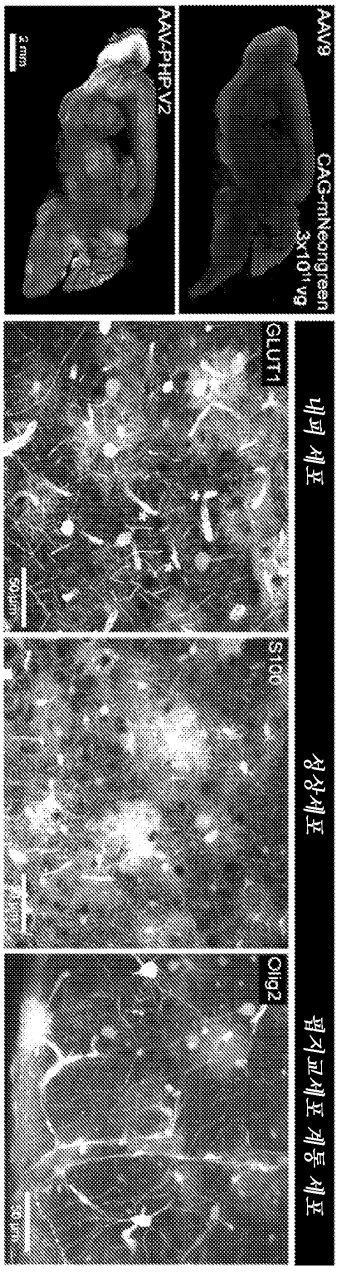
비-특이적 세포 형질도입

도면58

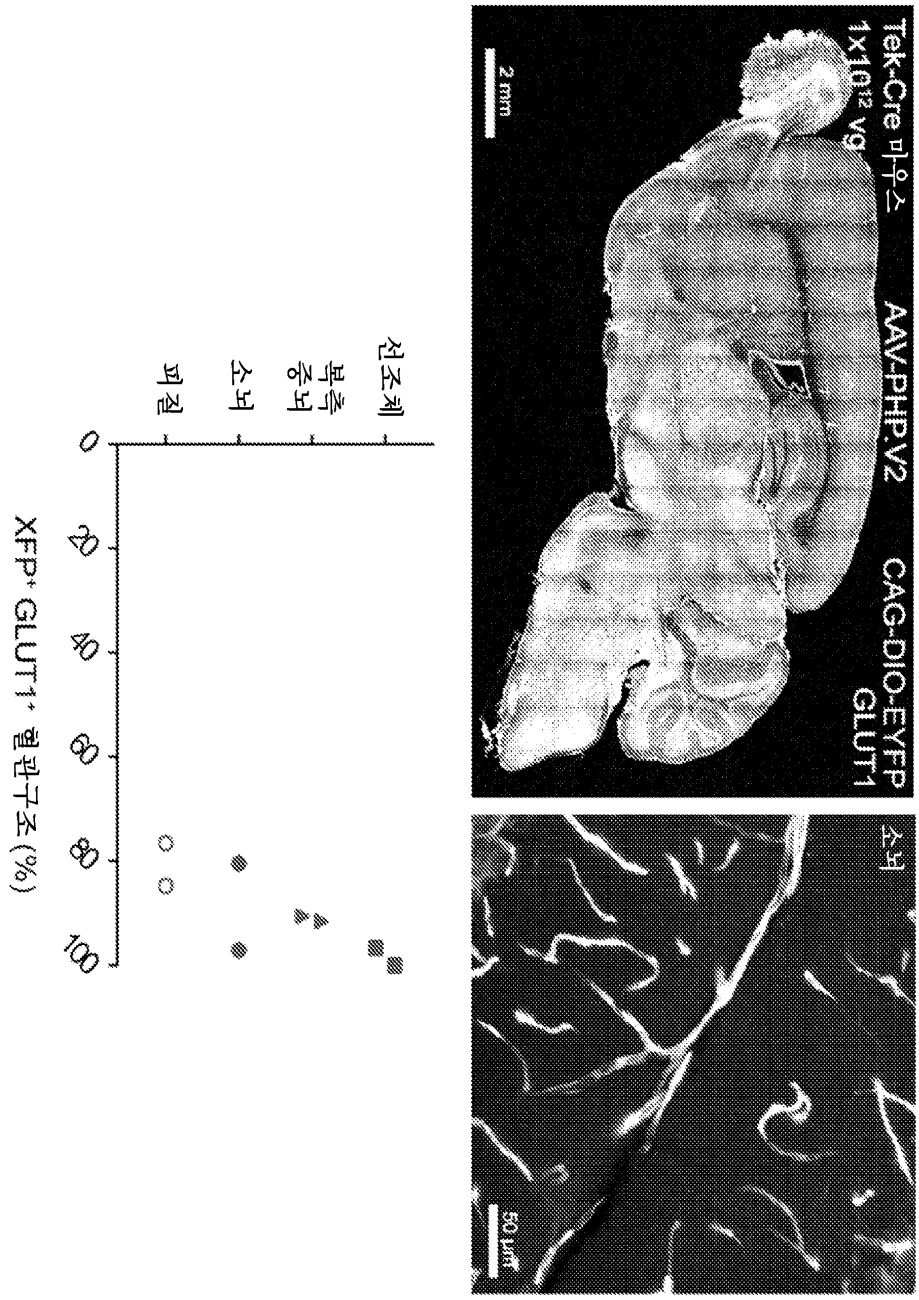


ssAAV- 및 scAAV-PHP.V1에 의한 특이적 혈관 세포 형질도입

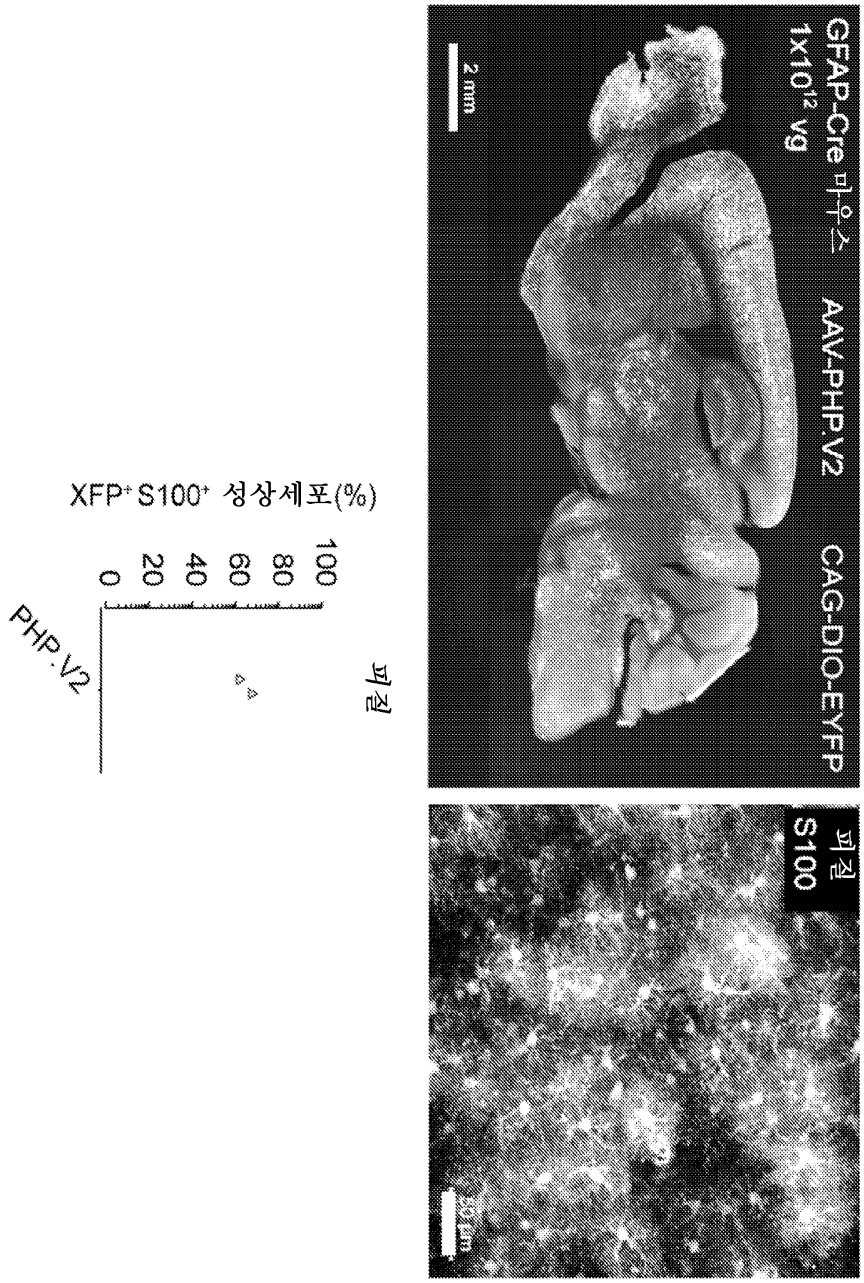
도면59


AAV9
CAG-mNeongreen
3x10^11 vg
AAV-PHP.V2
2 mm
내피 세포
성상세포
핍지교세포 계통 세포
GLUT1
S100
Olig2
50 μm

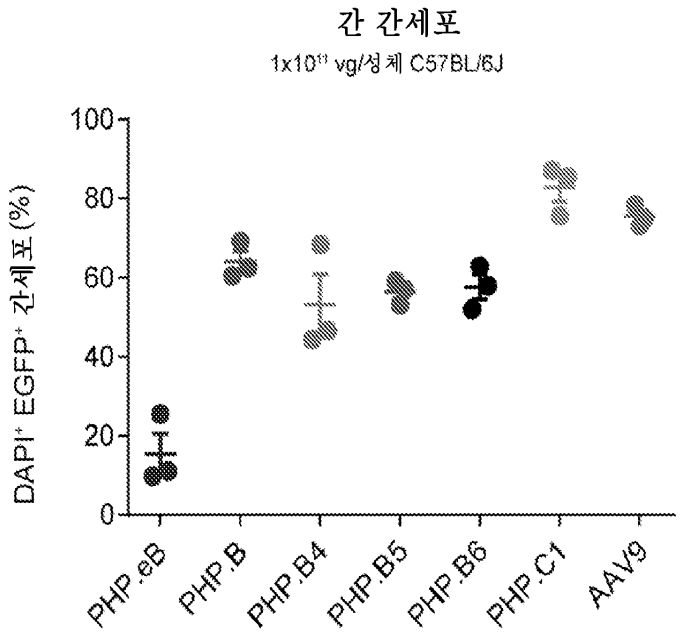
도면60


Tek-Cre 마우스
1x10¹² vg
AAV-PHP.V2
CAG-DIO-EYFP
GLUT1
2 mm
소뇌
50 μm
선조체
복측 중뇌
소뇌
피질
0
20
40
60
80
100
XFP⁺ GLUT1⁺ 혈관구조 (%)

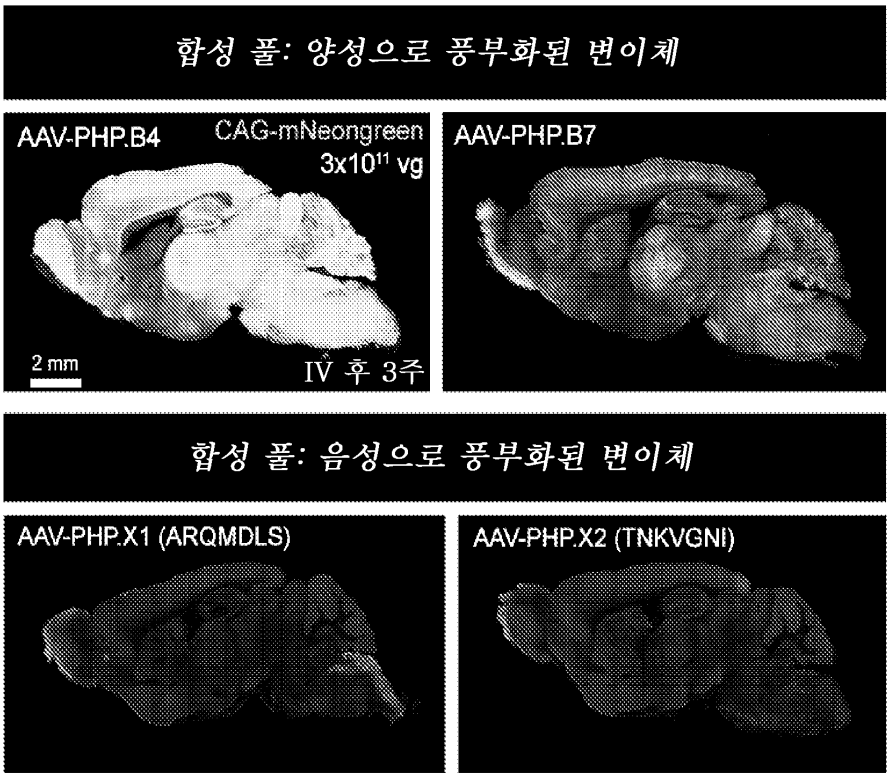
도면61


GFAP-Cre 마우스
1x10^12 vg
AAV-PHP.V2
CAG-DIO-EYFP
2 mm
피질
S100
50 μm
XFP+ S100+ 성상세포(%)
0
20
40
60
80
100
PHP.V2
피질

도면62

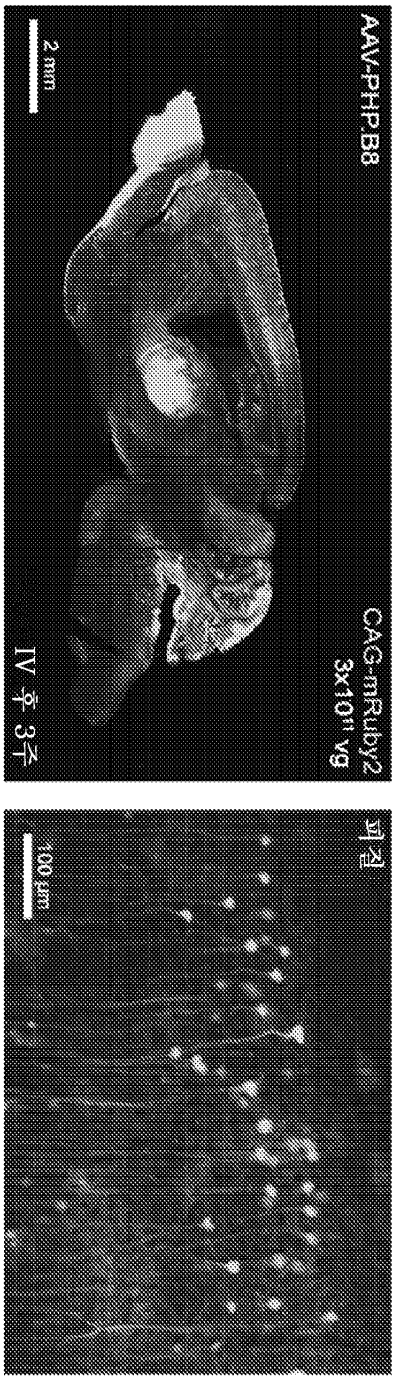

간 간세포
1x10¹¹ vg/성체 C57BL/6J
DAPI⁺ EGFP⁺ 간세포 (%)
100
80
60
40
20
0
PHP.eB
PHP.B
PHP.B4
PHP.B5
PHP.B6
PHP.C1
AAV9

도면63

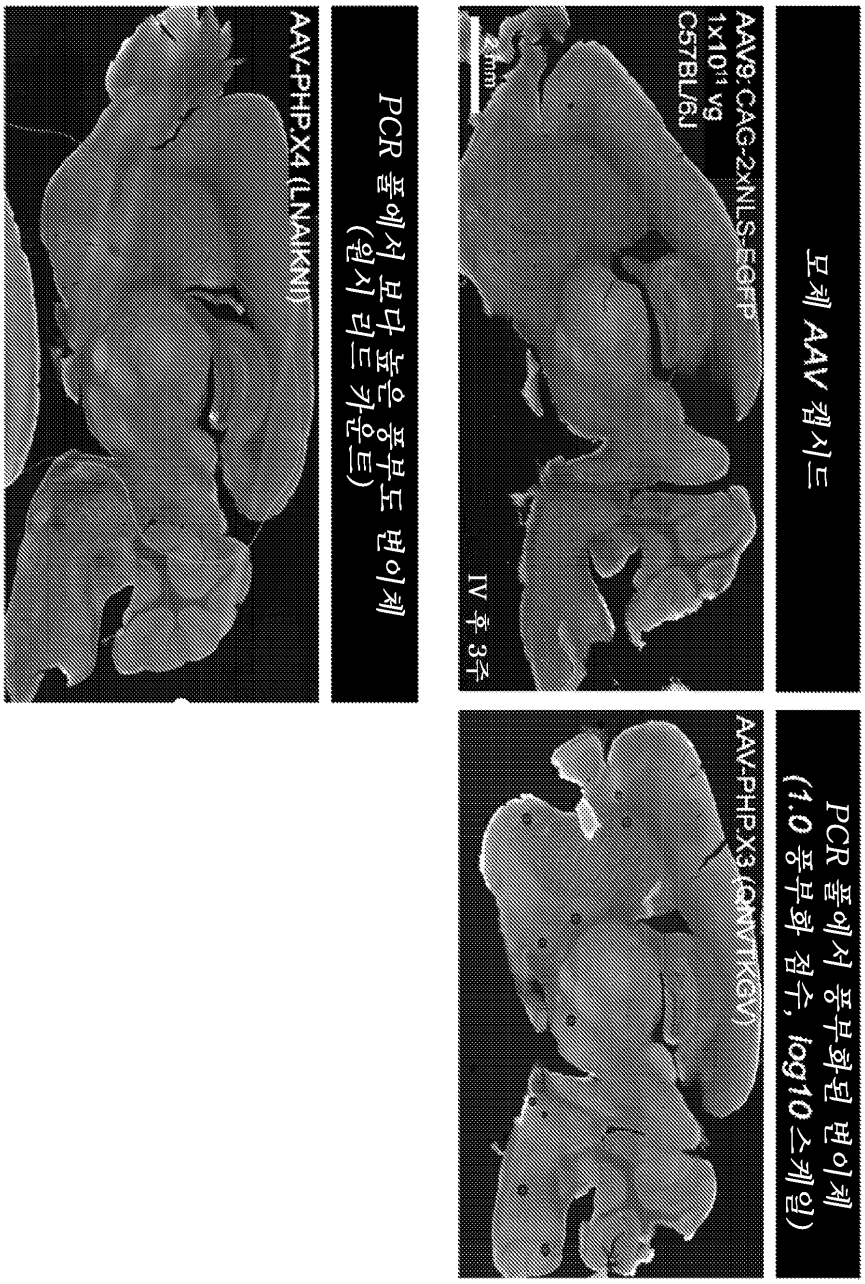

합성 풀: 양성으로 풍부화된 변이체
AAV-PHP.B4
CAG-mNeongreen
3x10¹¹ vg
2 mm
IV 후 3주
AAV-PHP.B7
합성 풀: 음성으로 풍부화된 변이체
AAV-PHP.X1 (ARQMDLS)
AAV-PHP.X2 (TNKVGNI)

도면64

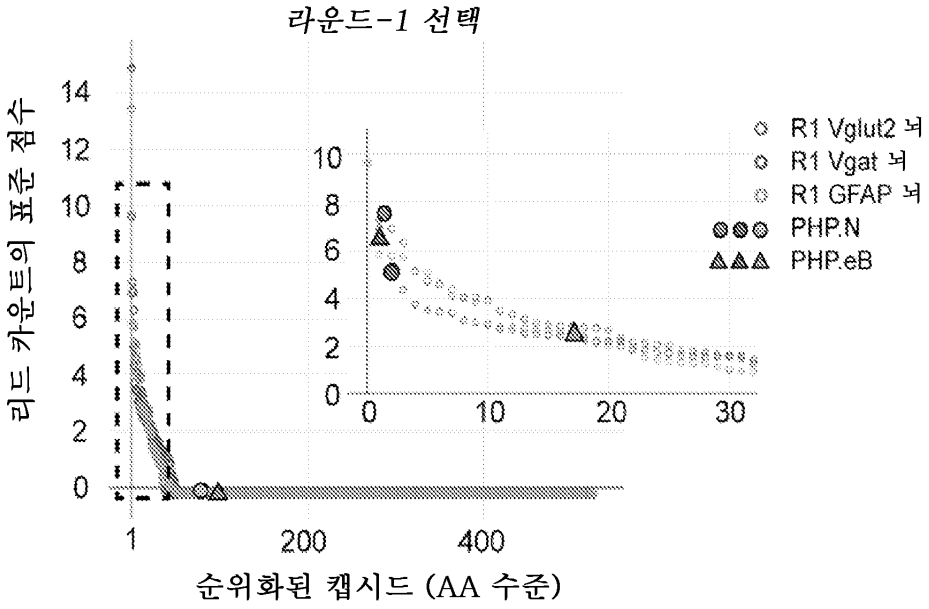




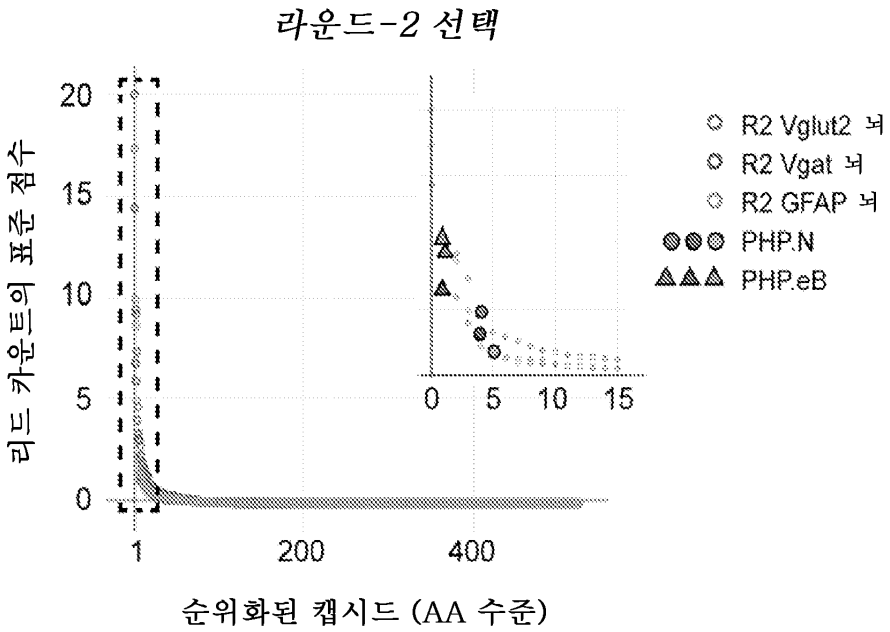
도면65


모체 AAV 캡시드
AAV9.CAG-2xNLS-EGFP
1x10^11 vg
C57BL/6J
2mm
IV 후 3주
PCR 풀에서 보다 높은 풍부도 변이체
(원시 리드 카운트)
AAV-PHP.X4 (LNAIKNI)
PCR 풀에서 풍부화된 변이체
(1.0 풍부화 점수, log10 스케일)
AAV-PHP.X3 (GNVTKEV)

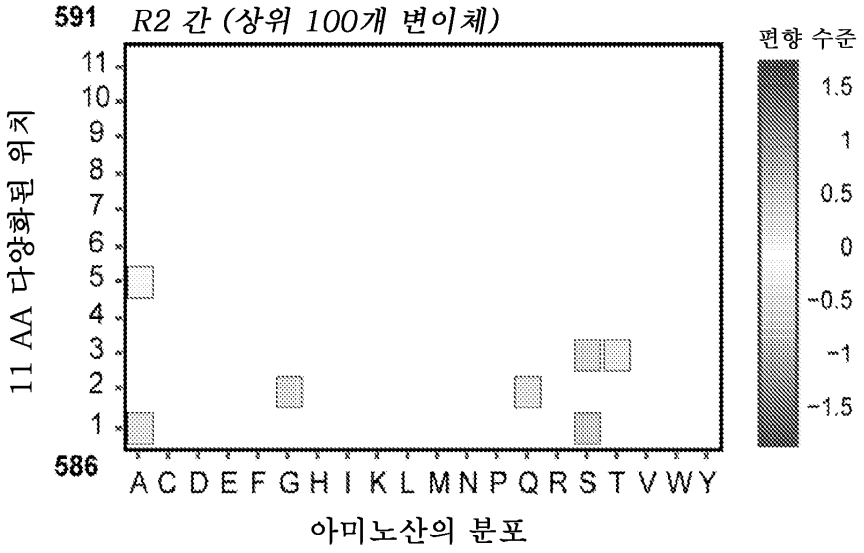
도면66


라운드-1 선택
리드 카운트의 표준 점수
14
12
10
8
6
4
2
0
1
200
400
10
8
6
4
2
0
0
10
20
30
R1 Vglut2 뇌
R1 Vgat 뇌
R1 GFAP 뇌
PHP.N
PHP.eB
순위화된 캡시드 (AA 수준)

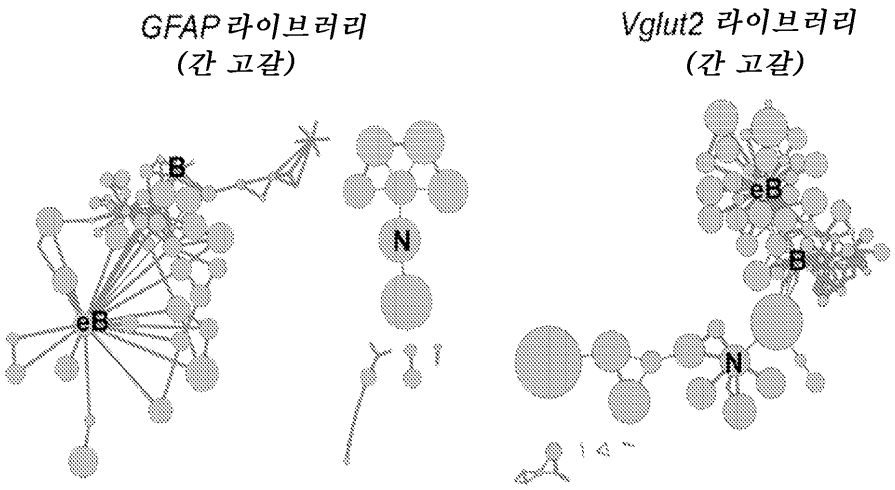
도면67


라운드-2 선택
리드 카운트의 표준 점수
20
15
10
5
0
1
200
400
0
5
10
15
R2 Vglut2 뇌
R2 Vgat 뇌
R2 GFAP 뇌
PHP.N
PHP.eB
순위화된 캡시드 (AA 수준)

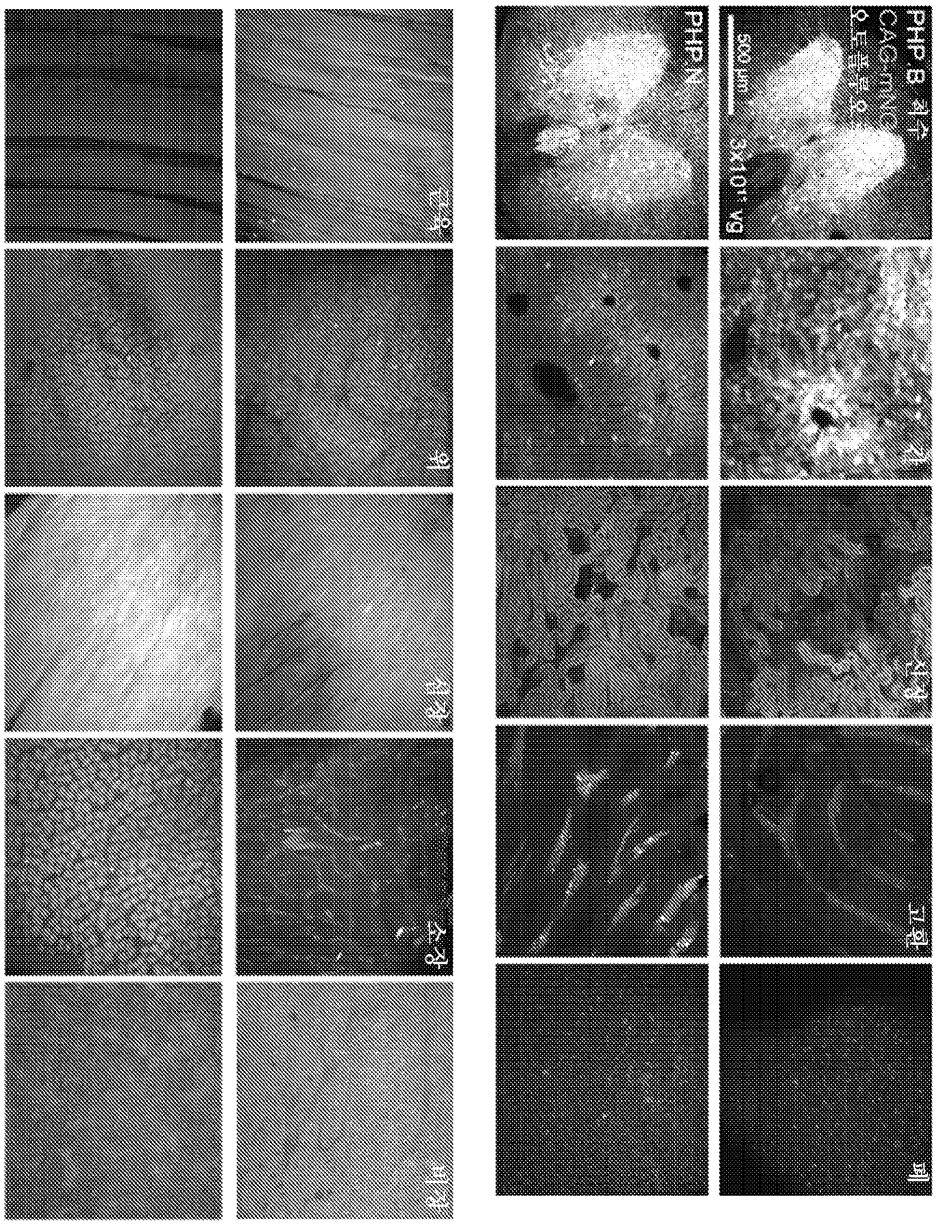
도면68


591
R2 간 (상위 100개 변이체)
11 AA 다양화된 위치
11
10
9
8
7
6
5
4
3
2
1
586
A C D E F G H I K L M N P Q R S T V W Y
아미노산의 분포
편향 수준
1.5
1
0.5
0
-0.5
-1
-1.5

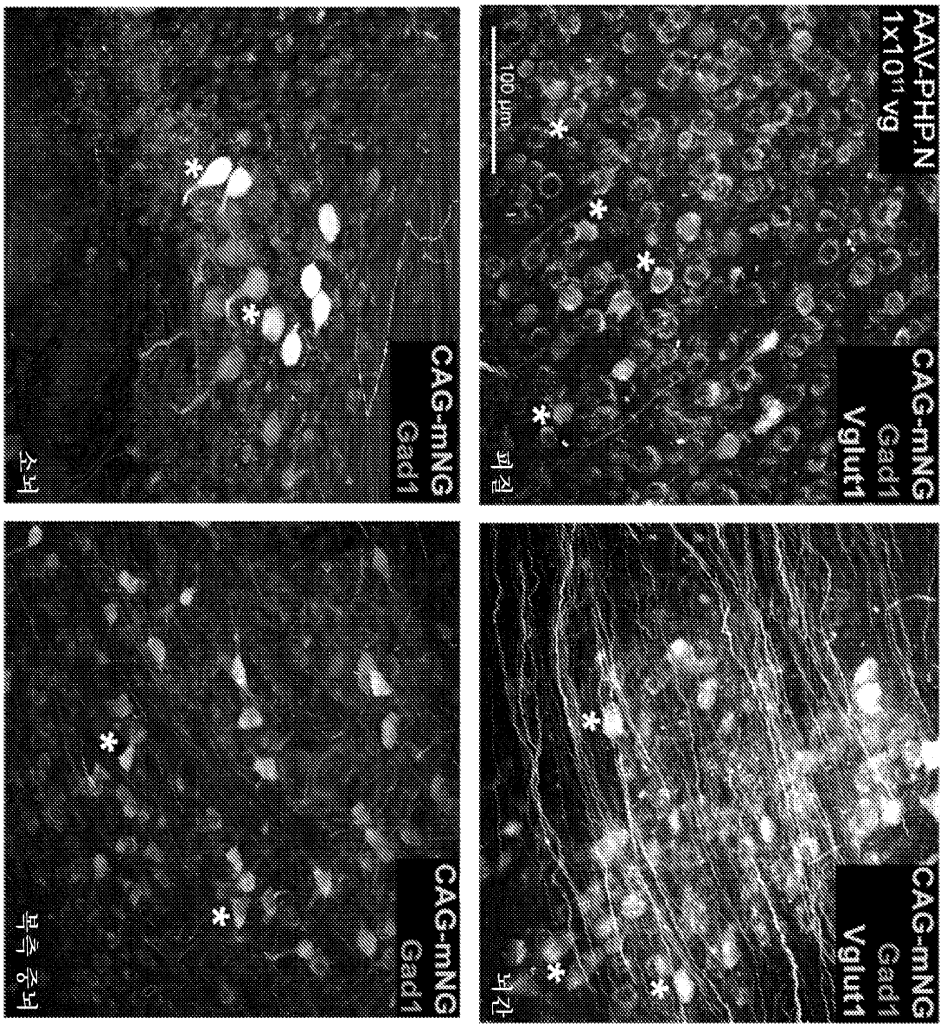
도면69


GFAP 라이브러리
(간 고갈)
B
N
eB
Vglut2 라이브러리
(간 고갈)
eB
B
N

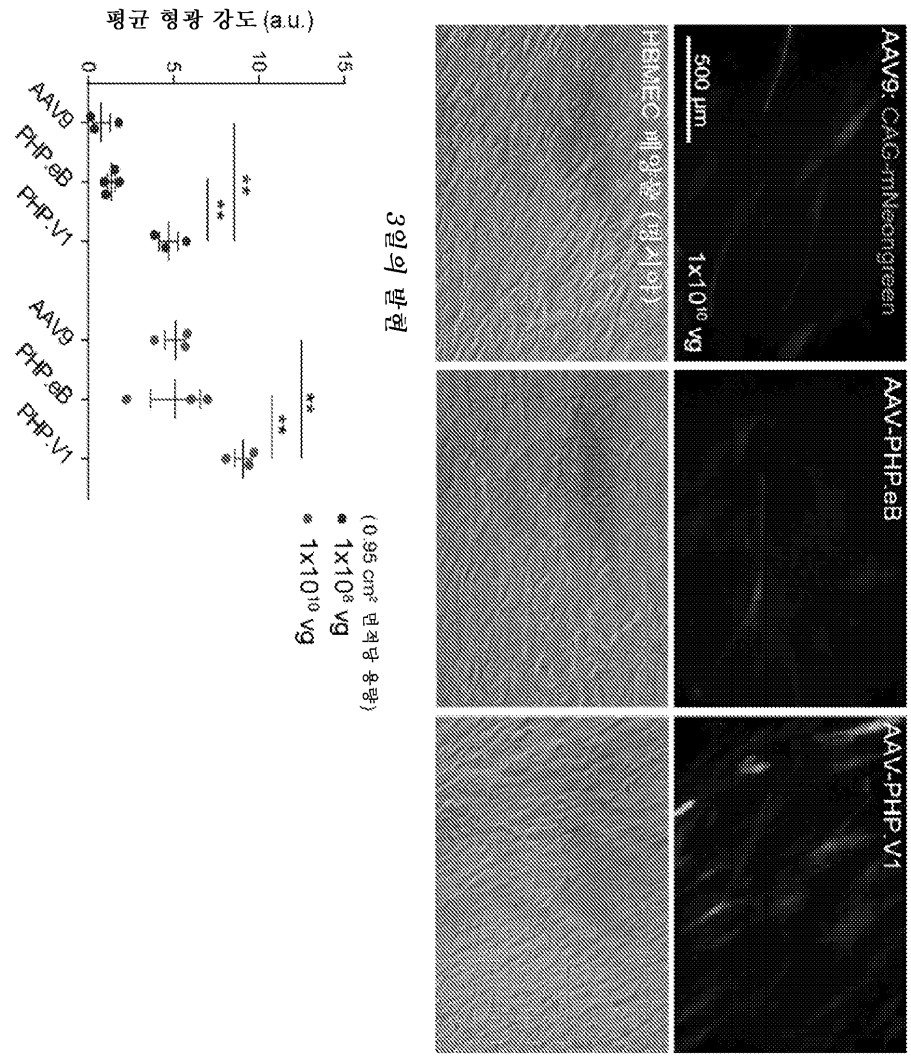
도면70


PHP B 처리
CAC-1MNC
8 토출물은
500μm
SU1,10,,,

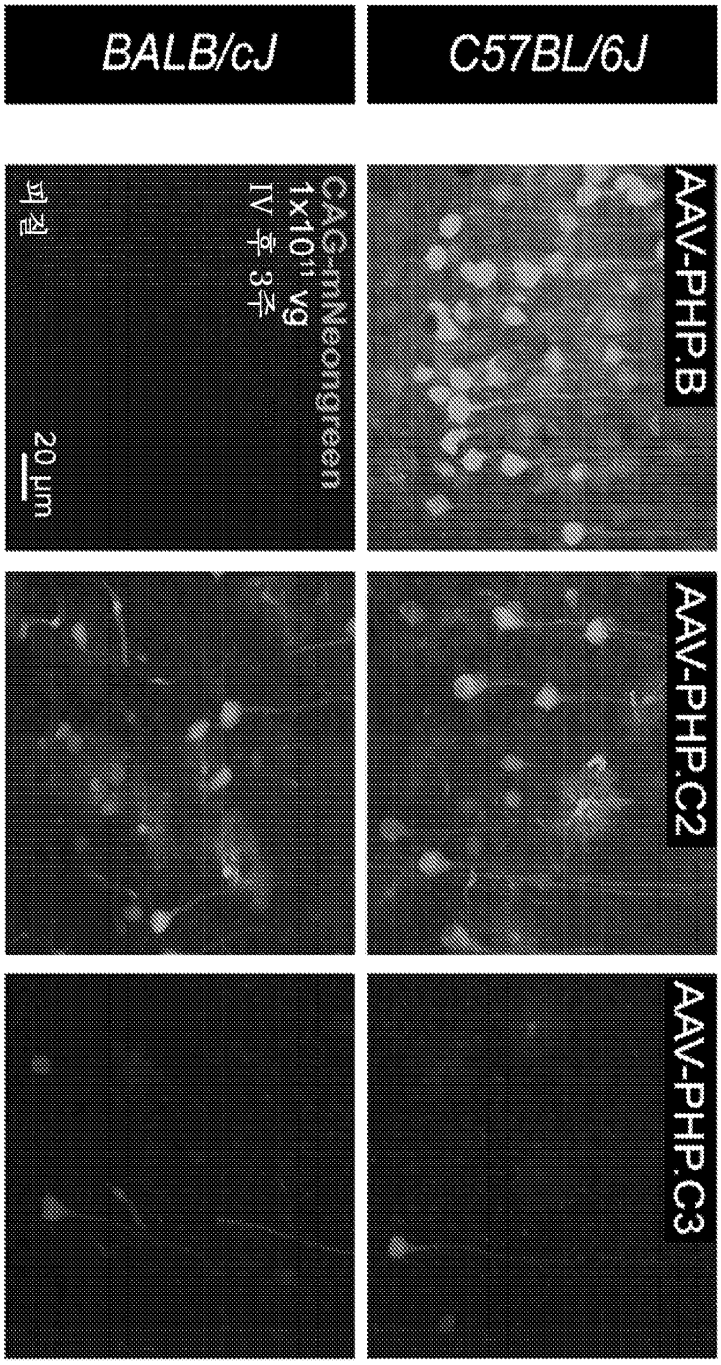
도면71


AAV-PHP.N
1x10¹¹ vg
100 μm
CAG-mNG
Gad1
Vglut1
피질
CAG-mNG
Gad1
Vglut1
뇌간
CAG-mNG
Gad1
복측 중뇌
CAG-mNG
Gad1
소뇌

도면72


AAV9.CAG.mNeongreen
1x10^10 vg
500 μm
AAV-PHP.eB
AAV-PHP.V1
Hippocampus (CA1 region)
cortex
평균 형광 강도 (a.u.)
0
5
10
15
AAV9
PHP.eB
PHP.V1
AAV9
PHP.eB
PHP.V1
**
**
**
**
(0.95 cm² 면적당 용량)
1x10^8 vg
1x10^10 vg

도면73


BALB/cJ
C57BL/6J
AAV-PHP.B
AAV-PHP.C2
AAV-PHP.C3
CAG-nlsMeomgreen
1x10¹¹ vg
IV 후 3주
피질
20 μm

도면74a

7-11 mer 펩티드	공급원 (이 펩티드를 처음 확인한 선택 연구)	이 연구로부터의 7-mer-i-라이브러리에서 R1 선택으로부터 확인된 변이체의 풀연변이	뇌에서 예측된 풍부화 (이전의 7-mer-I 합성 풀 선택)	SEQ ID NO:	M-CREATE에 의해 확인된 바와 같은 뇌에서의 풍부화 (매칭된 예측)
AQTLAVPFKAQ	7-mer-I AAV9 라이브러리 (PHP.B) (Deverman et al, 2016)		높음 (생체내 확인됨) (Deverman et al, 2016)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
AQYTLSQGWAQ	7-mer-I AAV9 라이브러리 (PHP.A) (Deverman et al, 2016)		높지만 불량한 바이러스 생산 (생체내 확인됨) (Deverman et al, 2016)	15147	뇌 조직에서 비회수된 변이체
AQSVSKPFLAQ	7-mer-I AAV9 라이브러리 (PHP.B2) (Deverman et al, 2016)		높음 (생체내 확인됨) (Deverman et al, 2016)	15148	높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
AQFTLTTPKAQ	7-mer-I AAV9 라이브러리 (PHP.B3) (Deverman et al, 2016)		높음 (생체내 확인됨) (Deverman et al, 2016)	15149	높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
DGTLAVPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리 (PHP.eB) (Chan et al, 2017)		높음 (생체내 확인됨) (Chan et al, 2017)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
AQQAVRTSLAQ	7-mer-I AAV9 라이브러리 (PHP.S)(Chan et al, 2017)		낮음 (생체내 확인됨) (Chan et al, 2017)		낮음 (Tek, Syn)
AQTLAVPFSNP	3-mer-s PHP.B 라이브러리 (PHP.N)		높음 (이 연구에서 생체내 확인됨)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
AQTLQLPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리 (PHP.B6)		높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
AQTLQQPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리 (PHP.B7)		높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)

도면74b

DGTTLKPFLAQ	본 연구	"DG"로 치환됨 PHP.V2 상의 "AQ"	미공지됨		뇌 조직에서 비 회수된 변이체
DGTALKPFLAQ	본 연구	"DG"로 치환됨 PHP.V1 상의 "AQ"	미공지됨		높음 (Syn, GFAP)
DGTTLKPFSNP	본 연구	"DG"로 치환됨 PHP.V2 상의 "AQ" 및 "SNP"로 치환됨 "LAQ"	미공지됨		낮음(Syn)
AQTTLKPFSNP	본 연구	"SNP"로 치환됨 PHP.V2 상의 "LAQ"	미공지됨		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
ESTLAVPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		(높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	15150	높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
GGTLAVPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		(높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	15151	높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
AQTLATPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		(높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	15152	높음 (Syn, SNAP, GFAP)
ATTLATPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		(높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	15153	높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
DGTLATPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		(높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	15154	높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
GGTLATPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		(높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	15155	높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)

도면74c

SGSLAVPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		(높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	15156	높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
AQTLAQPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		(높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	15157	높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
AQTLSNPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		(높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	15158	높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
AQTLSQPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		(높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	15159	높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
EGTLAVPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		(높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	15160	높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
DSTLAVPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		(높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	15161	높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
NQTLAVPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		(높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	15162	높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
SGNLAVPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		(높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	15163	높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
ATTLAVPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		(높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	15164	높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
AQTLTMPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		(높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	15165	높음 (Syn, SNAP, GFAP)
AQTLSTPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		(높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	15166	높음 (Syn, SNAP, GFAP)

도면74d

QGTLAVPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		(높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	15167	높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)

도면75a

SEQ ID	7-11 mer 펩티드	풍급원 (이 펩티드를 처음 확인한 선택 연구)	이 연구로부터의 7-mer-i 라이브러리에서 R1 선택으로부터 확인된 변이체의 풀연변이	뇌에서 예측된 풍부화 (이전의 7-mer-i 합성 풀 선택)	M-CREATE에 의해 확인된 바와 같은 뇌에서의 풍부화 (예측에 대해)	M-CREATE에 의해 확인된 바와 같은 뇌에서의 풍부화 (메칭된 예측)
	AQTLAVPFKAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (PHP.B) (Deverman et al, 2016)		높음 (생체내 확인됨) (Deverman et al, 2016)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
	AQYTLSQGWAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (PHP.A) (Deverman et al, 2016)		높지만 불량한 바이러스 생산 (생체내 확인됨) (Deverman et al, 2016)		뇌 조직에서 비회수된 변이체
	AQSVSKPFLAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (PHP.B2) (Deverman et al, 2016)		높음 (생체내 확인됨) (Deverman et al, 2016)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
	AQFTLTTPKAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (PHP.B3) (Deverman et al, 2016)		높음 (생체내 확인됨) (Deverman et al, 2016)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
	DGTLAVPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리 (PHP.eB) (Chan et al, 2017)		높음 (생체내 확인됨) (Chan et al, 2017)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
	AQQAVRTSLAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (PHP.S) (Chan et al, 2017)		낮음 (생체내 확인됨) (Chan et al, 2017)		낮음 (Tek, Syn)
	AQTLAVPFSNP	3-mer-s PHP.B 라이브러리 (PHP.N)		높음 (이 연구에서 생체내 확인됨)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)

도면75b

AQTLQLPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리 (PHP.B6)		높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
AQTLQQPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리 (PHP.B7)		높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
[illegible]TTLKPFLAQ	본 연구 (이전에 확인된 펩티드 로부터 영감받은 새로운 디자인)	"DG"로 치환된 PHP.V2 상의 "AQ"	미공지됨		뇌 조직에서 비회수된 변이체
[illegible]TALKPFLAQ	본 연구 (이전에 확인된 펩티드 로부터 영감받은 새로운 디자인)	"DG"로 치환된 PHP.V1 상의 "AQ"	미공지됨		높음 (Syn, GFAP)
[illegible]TTLKPF[illegible]P	본 연구 (이전에 확인된 펩티드 로부터 영감받은 새로운 디자인)	"DG"로 치환된 PHP.V2 상의 "AQ" 및 "SNP"로 치환된 "LAQ"	미공지됨		낮음 (Syn)
AQTTLKPF[illegible]P	영감받은 디자인	PHP.V2	미공지됨		SNAP, GFAP)
ESTLAVPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
GGTLAVPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)

도면75c

AQTLATPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		높음 (Syn, SNAP, GFAP)
ATTLATPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
DGTLATPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
GGTLATPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
SGSLAVPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
AQTLAQPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
AQTLSNPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
AQTLSQPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
EGTLAVPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
DSTLAVPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리		높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)

도면75d

	NQTLAVPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리			높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
			높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		
	SGNLAVPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리			높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
			높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		
	ATTLAVPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리			높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
			높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		
	AQTLTMPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리			높음 (Syn, SNAP, GFAP)
			높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		
	AQTLSTPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리			높음 (Syn, SNAP, GFAP)
			높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		
	QGTLAVPFKAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리			높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
15168			높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		
	DGTLAVPFSNP	3-mer-s PHP.B 라이브러리			높음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)
15169			높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	뇌 조직에서 비 회수된 변이체	
	DGTLAVPFRAQ	3-mer-s PHP.B 라이브러리			
15170		7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)	GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	낮음 (GFAP)	낮음 (Syn, SNAP)
	AQNSREVNIAQ				
15171		7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)	GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		낮음 (Syn)
	AQTREVNVIAQ				

도면75e

15172	AQIGMGHTLAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		낮음 (Syn)
15173	AQTAETKFLAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		낮음 (Syn)
15174	AQKATPPTEAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	낮음 (GFAP)	낮음 (Syn)
15175	AQAETSRSVAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		낮음 (Syn)
15176	AQTNRTIQTAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		높음 (Tek), 낮음 (Syn, SNAP, GFAP)
15177	AQYALTNDRAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	뇌 조직에서 비회수된 변이체	
15178	AQSVTNKMLAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		낮음 (Syn, Tek)
15179	AQSVQIVRGAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	낮음 (GFAP)	

도면75f

15180						
AQYPNTSQVAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	낮음 (GFAP)	낮음 (Syn, Tek)
15181						
AQYTLSQGTAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		낮음 (Syn)
15182						
AQWGLNRGTAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	뇌 조직에서 비 회수된 변이체		
15183						
AQTPKNVPDAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	뇌 조직에서 비 회수된 변이체		
15184						
AQYDPRGTDAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	뇌 조직에서 비 회수된 변이체		
15185						
AQVDTRPIQAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	낮음 (GFAP)		
15186						
AQTKSSYGVAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		낮음 (Syn, Tek)	
15187						
AQMNSTKNVAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		높음 (Tek), 낮음 (Syn, SNAP, GFAP)	

도면75g

15188	AQSLHHGSSAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		낮음 (Syn)
15189	AQSSPGAMHAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	뇌 조직에서 비회수된 변이체	
15190	AQSSYNDHPAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	낮음 (GFAP)	낮음 (Syn)
15191	AQGAPRSSIAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		낮음 (Tek, Syn)
15192	AQQGSLYTSAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		낮음 (Syn)
15193	AQHNAPGSLAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	낮음 (GFAP)	낮음 (Syn)
15194	AQSLSPTINAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		낮음 (Syn)
15195	AQNNVTLLSAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	낮음 (GFAP)	낮음 (Syn)

도면75h

15196	AQENRVKSAAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)	낮음 (GFAP)	낮음 (Tek, SNAP, Syn, SNAP)
15197	AQALNSVQPAQ	7-mer-i AAV9 라이브러리 (GFAP-cre에서의 이전의 선택 연구)		GFAP에서 높음 (NGS/이전의 CREATE 선택으로부터의 이. 콜라이 형질전환체에 기반함)		낮음 (Tek, Syn)
	AAV9 캡시드	모체 혈청형		낮음 (생체내 확인됨)		낮음 (Tek, Syn, SNAP, GFAP)

도면76a

7-11 mer 펩티드	SNAP-Cre 뇌 평균 풍부화 점수 (log10 스케일)
AQTLQLPFKAQ	2.635622315
QGTLAVPFKAQ	2.560366902
AQTLSNPFKAQ	2.502118769
EGTLAVPFKAQ	2.482752751
DGTLAVPFKAQ	2.463683642
AQTLQQPFKAQ	2.419778506
AQTLATPFKAQ	2.413504952
SGSLAVPFKAQ	2.332201386
AQTLSTPFKAQ	2.299687253
DGTLATPFKAQ	2.291973997
GGTLAVPFKAQ	2.29043988
AQSVSKPFLAQ	2.284711601
AQTLAVPFKAQ	2.278601473
AQTLTMPFKAQ	2.221290966
ESTLAVPFKAQ	2.117205819
SGNLAVPFKAQ	2.105494998
AQTLSQPFKAQ	2.0935429
NQTLAVPFKAQ	2.016639766
AQTLAQPFKAQ	1.995025038
ATTLATPFKAQ	1.92915754
DSTLAVPFKAQ	1.905246666
AQTLAVPFSNP	1.738130019
GGTLATPFKAQ	1.695996385
ATTLAVPFKAQ	1.647772357
AQFTLTTPKAQ	1.10964487
DGTLAVPFSNP	0.989170037
AQTTLKPFSNP	0.848064508
AQMNSTKNVAQ	**0.133837545**
AQTNRTIQTAQ	**0.070636377**
AQNSREVNIAQ	**0.010923571**
AQENRVKSAAQ	**-0.270391873**
AAV9 모체	*-0.717369399*

7-11 mer 펩티드	GFAP-Cre 뇌 평균 풍부화 점수 (log10 스케일)
AQSVSKPFLAQ	2.432111357
AQTLQLPFKAQ	2.426669581
AQTLAVPFKAQ	2.424167734
SGSLAVPFKAQ	2.413393158
GGTLAVPFKAQ	2.397707224
SGNLAVPFKAQ	2.35782662
AQTLTMPFKAQ	2.35516667
AQTLQQPFKAQ	2.327525492
QGTLAVPFKAQ	2.306177613
DGTLAVPFKAQ	2.284953655
EGTLAVPFKAQ	2.254372157
AQTLSNPFKAQ	2.214426568
AQTLATPFKAQ	2.189159997
DGTLATPFKAQ	2.142993798
AQTLSQPFKAQ	2.114492139
ATTLATPFKAQ	2.109425827
AQTLSTPFKAQ	1.960573055
AQTLAQPFKAQ	1.922063594
ESTLAVPFKAQ	1.876988733
NQTLAVPFKAQ	1.793802999
ATTLAVPFKAQ	1.700418599
AQTLAVPFSNP	1.613667889
GGTLATPFKAQ	1.566031662
DSTLAVPFKAQ	1.378544566
AQTTLKPFSNP	1.101507461
AQFTLTTPKAQ	1.066406048
DGTLAVPFSNP	0.635613469
DGTALKPFLAQ	0.42534062
AQTNRTIQTAQ	**0.394388797**
AQMNSTKNVAQ	**0.358805861**
AQSSYNDHPAQ	**0.295857683**
AQSVQIVRGAQ	**0.183522142**
AQYPNTSQVAQ	**0.180040989**
AQVDTRPIQAQ	**0.178271526**
AQHNAPGSLAQ	**0.141306671**
AQKATPPTEAQ	**0.13263146**
AQENRVKSAAQ	**-0.025808641**
AQQAVRTSLAQ	**-0.219734424**
AQNSREVNIAQ	**-0.272580586**
AAV9 모체	*-0.463061913*
AQNNVTLLSAQ	**-0.666668537**

도면76b

7-11 mer 펩티드	SNAP-Cre 뇌 평균 풍부화 점수 (log10 스케일)
AQTLQLPFKAQ	2.635622315
QGTLAVPFKAQ	2.560366902
AQTLSNPFKAQ	2.502118769
EGTLAVPFKAQ	2.482752751
DGTLAVPFKAQ	2.463683642
AQTLQQPFKAQ	2.419778506
AQTLATPFKAQ	2.413504952
SGSLAVPFKAQ	2.332201386
AQTLSTPFKAQ	2.299687253
DGTLATPFKAQ	2.291973997
GGTLAVPFKAQ	2.29043988
AQSVSKPFLAQ	2.284711601
AQTLAVPFKAQ	2.278601473
AQTLTMPFKAQ	2.221290966
ESTLAVPFKAQ	2.117205819
SGNLAVPFKAQ	2.105494998
AQTLSQPFKAQ	2.0935429
NQTLAVPFKAQ	2.016639766
AQTLAQPFKAQ	1.995025038
ATTLATPFKAQ	1.92915754
DSTLAVPFKAQ	1.905246666
AQTLAVPFSNP	1.738130019
GGTLATPFKAQ	1.695996385
ATTLAVPFKAQ	1.647772357
AQFTLTTPKAQ	1.10964487
DGTLAVPFSNP	0.989170037
AQTTLKPFSNP	0.848064508
AQMNSTKNVAQ	**0.133837545**
AQTNRTIQTAQ	**0.070636377**
AQNSREVNIAQ	**0.010923571**
AQENRVKSAAQ	**-0.270391873**
AAV9 모체	*-0.717369399*

7-11 mer 펩티드	GFAP-Cre 뇌 평균 풍부화 점수 (log10 스케일)
AQSVSKPFLAQ	2.432111357
AQTLQLPFKAQ	2.426669581
AQTLAVPFKAQ	2.424167734
SGSLAVPFKAQ	2.413393158
GGTLAVPFKAQ	2.397707224
SGNLAVPFKAQ	2.35782662
AQTLTMPFKAQ	2.35516667
AQTLQQPFKAQ	2.327525492
QGTLAVPFKAQ	2.306177613
DGTLAVPFKAQ	2.284953655
EGTLAVPFKAQ	2.254372157
AQTLSNPFKAQ	2.214426568
AQTLATPFKAQ	2.189159997
DGTLATPFKAQ	2.142993798
AQTLSQPFKAQ	2.114492139
ATTLATPFKAQ	2.109425827
AQTLSTPFKAQ	1.960573055
AQTLAQPFKAQ	1.922063594
ESTLAVPFKAQ	1.876988733
NQTLAVPFKAQ	1.793802999
ATTLAVPFKAQ	1.700418599
AQTLAVPFSNP	1.613667889
GGTLATPFKAQ	1.566031662
DSTLAVPFKAQ	1.378544566
AQTTLKPFSNP	1.101507461
AQFTLTTPKAQ	1.066406048
DGTLAVPFSNP	0.635613469
DGTALKPFLAQ	0.42534062
AQTNRTIQTAQ	**0.394388797**
AQMNSTKNVAQ	**0.358805861**
AQSSYNDHPAQ	**0.295857683**
AQSVQIVRGAQ	**0.183522142**
AQYPNTSQVAQ	**0.180040989**
AQVDTRPIQAQ	**0.178271526**
AQHNAPGSLAQ	**0.141306671**
AQKATPPTEAQ	**0.13263146**
AQENRVKSAAQ	**-0.025808641**
AQQAVRTSLAQ	**-0.219734424**
AQNSREVNIAQ	**-0.272580586**
AAV9 모체	*-0.463061913*
AQNNVTLLSAQ	**-0.666668537**

서 열 목 록

SEQUENCE LISTING

<110> California Institute of Technology

Gradinaru, Viviana

Kumar, Sripriya

Deverman, Benjamin

<120> VIRUS COMPOSITIONS WITH ENHANCED SPECIFICITY IN THE BRAIN

<130> CAPS-004/01WO 35847/9

<140> PCT/US20/27708

<141> 2020-04-10

<150> 62/832,826

<151> 2019-04-11

<160> 15197

<170> PatentIn version 3.5

<210> 1

<211> 736

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1

Met Ala Ala Asp Gly Tyr Leu Pro Asp Trp Leu Glu Asp Asn Leu Ser

1 5 10 15

Glu Gly Ile Arg Glu Trp Trp Ala Leu Lys Pro Gly Ala Pro Gln Pro

20 25 30

Lys Ala Asn Gln Gln His Gln Asp Asn Ala Arg Gly Leu Val Leu Pro

35 40 45

Gly Tyr Lys Tyr Leu Gly Pro Gly Asn Gly Leu Asp Lys Gly Glu Pro

50 55 60

Val Asn Ala Ala Asp Ala Ala Ala Leu Glu His Asp Lys Ala Tyr Asp

65 70 75 80

Gln Gln Leu Lys Ala Gly Asp Asn Pro Tyr Leu Lys Tyr Asn His Ala

85 90 95

Asp Ala Glu Phe Gln Glu Arg Leu Lys Glu Asp Thr Ser Phe Gly Gly

100 105 110

Asn Leu Gly Arg Ala Val Phe Gln Ala Lys Lys Arg Leu Leu Glu Pro

115 120 125

Leu Gly Leu Val Glu Glu Ala Ala Lys Thr Ala Pro Gly Lys Lys Arg

130 135 140

Pro Val Glu Gln Ser Pro Gln Glu Pro Asp Ser Ser Ala Gly Ile Gly

145 150 155 160

Lys Ser Gly Ala Gln Pro Ala Lys Lys Arg Leu Asn Phe Gly Gln Thr
165 170 175
Gly Asp Thr Glu Ser Val Pro Asp Pro Gln Pro Ile Gly Glu Pro Pro
180 185 190
Ala Ala Pro Ser Gly Val Gly Ser Leu Thr Met Ala Ser Gly Gly Gly

195 200 205
Ala Pro Val Ala Asp Asn Asn Glu Gly Ala Asp Gly Val Gly Ser Ser
210 215 220
Ser Gly Asn Trp His Cys Asp Ser Gln Trp Leu Gly Asp Arg Val Ile
225 230 235 240
Thr Thr Ser Thr Arg Thr Trp Ala Leu Pro Thr Tyr Asn Asn His Leu
245 250 255
Tyr Lys Gln Ile Ser Asn Ser Thr Ser Gly Gly Ser Ser Asn Asp Asn

260 265 270
Ala Tyr Phe Gly Tyr Ser Thr Pro Trp Gly Tyr Phe Asp Phe Asn Arg
275 280 285
Phe His Cys His Phe Ser Pro Arg Asp Trp Gln Arg Leu Ile Asn Asn
290 295 300
Asn Trp Gly Phe Arg Pro Lys Arg Leu Asn Phe Lys Leu Phe Asn Ile
305 310 315 320
Gln Val Lys Glu Val Thr Asp Asn Asn Gly Val Lys Thr Ile Ala Asn

325 330 335
Asn Leu Thr Ser Thr Val Gln Val Phe Thr Asp Ser Asp Tyr Gln Leu
340 345 350
Pro Tyr Val Leu Gly Ser Ala His Glu Gly Cys Leu Pro Pro Phe Pro
355 360 365
Ala Asp Val Phe Met Ile Pro Gln Tyr Gly Tyr Leu Thr Leu Asn Asp
370 375 380
Gly Ser Gln Ala Val Gly Arg Ser Ser Phe Tyr Cys Leu Glu Tyr Phe

385 390 395 400
Pro Ser Gln Met Leu Arg Thr Gly Asn Asn Phe Gln Phe Ser Tyr Glu

405 410 415

Phe Glu Asn Val Pro Phe His Ser Ser Tyr Ala His Ser Gln Ser Leu

420 425 430

Asp Arg Leu Met Asn Pro Leu Ile Asp Gln Tyr Leu Tyr Tyr Leu Ser

435 440 445

Lys Thr Ile Asn Gly Ser Gly Gln Asn Gln Gln Thr Leu Lys Phe Ser

450 455 460

Val Ala Gly Pro Ser Asn Met Ala Val Gln Gly Arg Asn Tyr Ile Pro

465 470 475 480

Gly Pro Ser Tyr Arg Gln Gln Arg Val Ser Thr Thr Val Thr Gln Asn

485 490 495

Asn Asn Ser Glu Phe Ala Trp Pro Gly Ala Ser Ser Trp Ala Leu Asn

500 505 510

Gly Arg Asn Ser Leu Met Asn Pro Gly Pro Ala Met Ala Ser His Lys

515 520 525

Glu Gly Glu Asp Arg Phe Phe Pro Leu Ser Gly Ser Leu Ile Phe Gly

530 535 540

Lys Gln Gly Thr Gly Arg Asp Asn Val Asp Ala Asp Lys Val Met Ile

545 550 555 560

Thr Asn Glu Glu Glu Ile Lys Thr Thr Asn Pro Val Ala Thr Glu Ser

565 570 575

Tyr Gly Gln Val Ala Thr Asn His Gln Ser Ala Gln Ala Gln Ala Gln

580 585 590

Thr Gly Trp Val Gln Asn Gln Gly Ile Leu Pro Gly Met Val Trp Gln

595 600 605

Asp Arg Asp Val Tyr Leu Gln Gly Pro Ile Trp Ala Lys Ile Pro His

610 615 620

Thr Asp Gly Asn Phe His Pro Ser Pro Leu Met Gly Gly Phe Gly Met

625 630 635 640

Lys His Pro Pro Pro Gln Ile Leu Ile Lys Asn Thr Pro Val Pro Ala

645 650 655

Asp Pro Pro Thr Ala Phe Asn Lys Asp Lys Leu Asn Ser Phe Ile Thr
660 665 670

Gln Tyr Ser Thr Gly Gln Val Ser Val Glu Ile Glu Trp Glu Leu Gln
675 680 685

Lys Glu Asn Ser Lys Arg Trp Asn Pro Glu Ile Gln Tyr Thr Ser Asn
690 695 700

Tyr Tyr Lys Ser Asn Asn Val Glu Phe Ala Val Asn Thr Glu Gly Val

705 710 715 720

Tyr Ser Glu Pro Arg Pro Ile Gly Thr Arg Tyr Leu Thr Arg Asn Leu
725 730 735

<210> 2

<211> 743

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2

Met Ala Ala Asp Gly Tyr Leu Pro Asp Trp Leu Glu Asp Asn Leu Ser
1 5 10 15

Glu Gly Ile Arg Glu Trp Trp Ala Leu Lys Pro Gly Ala Pro Gln Pro
20 25 30

Lys Ala Asn Gln Gln His Gln Asp Asn Ala Arg Gly Leu Val Leu Pro
35 40 45

Gly Tyr Lys Tyr Leu Gly Pro Gly Asn Gly Leu Asp Lys Gly Glu Pro
50 55 60

Val Asn Ala Ala Asp Ala Ala Ala Leu Glu His Asp Lys Ala Tyr Asp
65 70 75 80

Gln Gln Leu Lys Ala Gly Asp Asn Pro Tyr Leu Lys Tyr Asn His Ala
85 90 95

Asp Ala Glu Phe Gln Glu Arg Leu Lys Glu Asp Thr Ser Phe Gly Gly
100 105 110

Asn Leu Gly Arg Ala Val Phe Gln Ala Lys Lys Arg Leu Leu Glu Pro
115 120 125

Leu Gly Leu Val Glu Glu Ala Ala Lys Thr Ala Pro Gly Lys Lys Arg
130 135 140
Pro Val Glu Gln Ser Pro Gln Glu Pro Asp Ser Ser Ala Gly Ile Gly
145 150 155 160

Lys Ser Gly Ala Gln Pro Ala Lys Lys Arg Leu Asn Phe Gly Gln Thr
165 170 175
Gly Asp Thr Glu Ser Val Pro Asp Pro Gln Pro Ile Gly Glu Pro Pro
180 185 190
Ala Ala Pro Ser Gly Val Gly Ser Leu Thr Met Ala Ser Gly Gly Gly
195 200 205
Ala Pro Val Ala Asp Asn Asn Glu Gly Ala Asp Gly Val Gly Ser Ser
210 215 220

Ser Gly Asn Trp His Cys Asp Ser Gln Trp Leu Gly Asp Arg Val Ile
225 230 235 240
Thr Thr Ser Thr Arg Thr Trp Ala Leu Pro Thr Tyr Asn Asn His Leu
245 250 255
Tyr Lys Gln Ile Ser Asn Ser Thr Ser Gly Gly Ser Ser Asn Asp Asn
260 265 270
Ala Tyr Phe Gly Tyr Ser Thr Pro Trp Gly Tyr Phe Asp Phe Asn Arg
275 280 285

Phe His Cys His Phe Ser Pro Arg Asp Trp Gln Arg Leu Ile Asn Asn
290 295 300
Asn Trp Gly Phe Arg Pro Lys Arg Leu Asn Phe Lys Leu Phe Asn Ile
305 310 315 320
Gln Val Lys Glu Val Thr Asp Asn Asn Gly Val Lys Thr Ile Ala Asn
325 330 335
Asn Leu Thr Ser Thr Val Gln Val Phe Thr Asp Ser Asp Tyr Gln Leu
340 345 350

Pro Tyr Val Leu Gly Ser Ala His Glu Gly Cys Leu Pro Pro Phe Pro
355 360 365
Ala Asp Val Phe Met Ile Pro Gln Tyr Gly Tyr Leu Thr Leu Asn Asp

370 375 380

Gly Ser Gln Ala Val Gly Arg Ser Ser Phe Tyr Cys Leu Glu Tyr Phe

385 390 395 400

Pro Ser Gln Met Leu Arg Thr Gly Asn Asn Phe Gln Phe Ser Tyr Glu

405 410 415

Phe Glu Asn Val Pro Phe His Ser Ser Tyr Ala His Ser Gln Ser Leu

420 425 430

Asp Arg Leu Met Asn Pro Leu Ile Asp Gln Tyr Leu Tyr Tyr Leu Ser

435 440 445

Arg Thr Ile Asn Gly Ser Gly Gln Asn Gln Gln Thr Leu Lys Phe Ser

450 455 460

Val Ala Gly Pro Ser Asn Met Ala Val Gln Gly Arg Asn Tyr Ile Pro

465 470 475 480

Gly Pro Ser Tyr Arg Gln Gln Arg Val Ser Thr Thr Val Thr Gln Asn

485 490 495

Asn Asn Ser Glu Phe Ala Trp Pro Gly Ala Ser Ser Trp Ala Leu Asn

500 505 510

Gly Arg Asn Ser Leu Met Asn Pro Gly Pro Ala Met Ala Ser His Lys

515 520 525

Glu Gly Glu Asp Arg Phe Phe Pro Leu Ser Gly Ser Leu Ile Phe Gly

530 535 540

Lys Gln Gly Thr Gly Arg Asp Asn Val Asp Ala Asp Lys Val Met Ile

545 550 555 560

Thr Asn Glu Glu Glu Ile Lys Thr Thr Asn Pro Val Ala Thr Glu Ser

565 570 575

Tyr Gly Gln Val Ala Thr Asn His Gln Ser Ala Gln Thr Leu Ala Val

580 585 590

Pro Phe Lys Ala Gln Ala Gln Thr Gly Trp Val Gln Asn Gln Gly Ile

595 600 605

Leu Pro Gly Met Val Trp Gln Asp Arg Asp Val Tyr Leu Gln Gly Pro

610 615 620

Ile Trp Ala Lys Ile Pro His Thr Asp Gly Asn Phe His Pro Ser Pro
625 630 635 640
Leu Met Gly Gly Phe Gly Met Lys His Pro Pro Pro Gln Ile Leu Ile
645 650 655
Lys Asn Thr Pro Val Pro Ala Asp Pro Pro Thr Ala Phe Asn Lys Asp
660 665 670

Lys Leu Asn Ser Phe Ile Thr Gln Tyr Ser Thr Gly Gln Val Ser Val
675 680 685
Glu Ile Glu Trp Glu Leu Gln Lys Glu Asn Ser Lys Arg Trp Asn Pro
690 695 700
Glu Ile Gln Tyr Thr Ser Asn Tyr Tyr Lys Ser Asn Asn Val Glu Phe
705 710 715 720
Ala Val Asn Thr Glu Gly Val Tyr Ser Glu Pro Arg Pro Ile Gly Thr
725 730 735

Arg Tyr Leu Thr Arg Asn Leu
740

<210> 3
<211> 743
<212> PRT
<213> Artificial Sequence
<220><223> Synthetic Construct
<400> 3
Met Ala Ala Asp Gly Tyr Leu Pro Asp Trp Leu Glu Asp Asn Leu Ser
1 5 10 15
Glu Gly Ile Arg Glu Trp Trp Ala Leu Lys Pro Gly Ala Pro Gln Pro
20 25 30
Lys Ala Asn Gln Gln His Gln Asp Asn Ala Arg Gly Leu Val Leu Pro
35 40 45

Gly Tyr Lys Tyr Leu Gly Pro Gly Asn Gly Leu Asp Lys Gly Glu Pro
50 55 60
Val Asn Ala Ala Asp Ala Ala Ala Leu Glu His Asp Lys Ala Tyr Asp
65 70 75 80

Gln Gln Leu Lys Ala Gly Asp Asn Pro Tyr Leu Lys Tyr Asn His Ala
85 90 95
Asp Ala Glu Phe Gln Glu Arg Leu Lys Glu Asp Thr Ser Phe Gly Gly
100 105 110

Asn Leu Gly Arg Ala Val Phe Gln Ala Lys Lys Arg Leu Leu Glu Pro
115 120 125
Leu Gly Leu Val Glu Glu Ala Ala Lys Thr Ala Pro Gly Lys Lys Arg
130 135 140
Pro Val Glu Gln Ser Pro Gln Glu Pro Asp Ser Ser Ala Gly Ile Gly
145 150 155 160
Lys Ser Gly Ala Gln Pro Ala Lys Lys Arg Leu Asn Phe Gly Gln Thr
165 170 175

Gly Asp Thr Glu Ser Val Pro Asp Pro Gln Pro Ile Gly Glu Pro Pro
180 185 190
Ala Ala Pro Ser Gly Val Gly Ser Leu Thr Met Ala Ser Gly Gly Gly
195 200 205
Ala Pro Val Ala Asp Asn Asn Glu Gly Ala Asp Gly Val Gly Ser Ser
210 215 220
Ser Gly Asn Trp His Cys Asp Ser Gln Trp Leu Gly Asp Arg Val Ile
225 230 235 240

Thr Thr Ser Thr Arg Thr Trp Ala Leu Pro Thr Tyr Asn Asn His Leu
245 250 255
Tyr Lys Gln Ile Ser Asn Ser Thr Ser Gly Gly Ser Ser Asn Asp Asn
260 265 270
Ala Tyr Phe Gly Tyr Ser Thr Pro Trp Gly Tyr Phe Asp Phe Asn Arg
275 280 285
Phe His Cys His Phe Ser Pro Arg Asp Trp Gln Arg Leu Ile Asn Asn
290 295 300

Asn Trp Gly Phe Arg Pro Lys Arg Leu Asn Phe Lys Leu Phe Asn Ile
305 310 315 320
Gln Val Lys Glu Val Thr Asp Asn Asn Gly Val Lys Thr Ile Ala Asn

325 330 335

Asn Leu Thr Ser Thr Val Gln Val Phe Thr Asp Ser Asp Tyr Gln Leu

340 345 350

Pro Tyr Val Leu Gly Ser Ala His Glu Gly Cys Leu Pro Pro Phe Pro

355 360 365

Ala Asp Val Phe Met Ile Pro Gln Tyr Gly Tyr Leu Thr Leu Asn Asp

370 375 380

Gly Ser Gln Ala Val Gly Arg Ser Ser Phe Tyr Cys Leu Glu Tyr Phe

385 390 395 400

Pro Ser Gln Met Leu Arg Thr Gly Asn Asn Phe Gln Phe Ser Tyr Glu

405 410 415

Phe Glu Asn Val Pro Phe His Ser Ser Tyr Ala His Ser Gln Ser Leu

420 425 430

Asp Arg Leu Met Asn Pro Leu Ile Asp Gln Tyr Leu Tyr Tyr Leu Ser

435 440 445

Arg Thr Ile Asn Gly Ser Gly Gln Asn Gln Gln Thr Leu Lys Phe Ser

450 455 460

Val Ala Gly Pro Ser Asn Met Ala Val Gln Gly Arg Asn Tyr Ile Pro

465 470 475 480

Gly Pro Ser Tyr Arg Gln Gln Arg Val Ser Thr Thr Val Thr Gln Asn

485 490 495

Asn Asn Ser Glu Phe Ala Trp Pro Gly Ala Ser Ser Trp Ala Leu Asn

500 505 510

Gly Arg Asn Ser Leu Met Asn Pro Gly Pro Ala Met Ala Ser His Lys

515 520 525

Glu Gly Glu Asp Arg Phe Phe Pro Leu Ser Gly Ser Leu Ile Phe Gly

530 535 540

Lys Gln Gly Thr Gly Arg Asp Asn Val Asp Ala Asp Lys Val Met Ile

545 550 555 560

Thr Asn Glu Glu Glu Ile Lys Thr Thr Asn Pro Val Ala Thr Glu Ser

565 570 575

Tyr Gly Gln Val Ala Thr Asn His Gln Ser Ala Gln Gln Ala Val Arg
580 585 590
Thr Ser Leu Ala Gln Ala Gln Thr Gly Trp Val Gln Asn Gln Gly Ile
595 600 605
Leu Pro Gly Met Val Trp Gln Asp Arg Asp Val Tyr Leu Gln Gly Pro
610 615 620

Ile Trp Ala Lys Ile Pro His Thr Asp Gly Asn Phe His Pro Ser Pro
625 630 635 640
Leu Met Gly Gly Phe Gly Met Lys His Pro Pro Pro Gln Ile Leu Ile
645 650 655
Lys Asn Thr Pro Val Pro Ala Asp Pro Pro Thr Ala Phe Asn Lys Asp
660 665 670
Lys Leu Asn Ser Phe Ile Thr Gln Tyr Ser Thr Gly Gln Val Ser Val
675 680 685

Glu Ile Glu Trp Glu Leu Gln Lys Glu Asn Ser Lys Arg Trp Asn Pro
690 695 700
Glu Ile Gln Tyr Thr Ser Asn Tyr Tyr Lys Ser Asn Asn Val Glu Phe
705 710 715 720
Ala Val Asn Thr Glu Gly Val Tyr Ser Glu Pro Arg Pro Ile Gly Thr
725 730 735
Arg Tyr Leu Thr Arg Asn Leu
740

<210> 4
<211> 743
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct
<400> 4
Met Ala Ala Asp Gly Tyr Leu Pro Asp Trp Leu Glu Asp Asn Leu Ser
1 5 10 15
Glu Gly Ile Arg Glu Trp Trp Ala Leu Lys Pro Gly Ala Pro Gln Pro
20 25 30

Lys Ala Asn Gln Gln His Gln Asp Asn Ala Arg Gly Leu Val Leu Pro
35 40 45
Gly Tyr Lys Tyr Leu Gly Pro Gly Asn Gly Leu Asp Lys Gly Glu Pro
50 55 60

Val Asn Ala Ala Asp Ala Ala Ala Leu Glu His Asp Lys Ala Tyr Asp
65 70 75 80
Gln Gln Leu Lys Ala Gly Asp Asn Pro Tyr Leu Lys Tyr Asn His Ala
85 90 95
Asp Ala Glu Phe Gln Glu Arg Leu Lys Glu Asp Thr Ser Phe Gly Gly
100 105 110
Asn Leu Gly Arg Ala Val Phe Gln Ala Lys Lys Arg Leu Leu Glu Pro
115 120 125

Leu Gly Leu Val Glu Glu Ala Ala Lys Thr Ala Pro Gly Lys Lys Arg
130 135 140
Pro Val Glu Gln Ser Pro Gln Glu Pro Asp Ser Ser Ala Gly Ile Gly
145 150 155 160
Lys Ser Gly Ala Gln Pro Ala Lys Lys Arg Leu Asn Phe Gly Gln Thr
165 170 175
Gly Asp Thr Glu Ser Val Pro Asp Pro Gln Pro Ile Gly Glu Pro Pro
180 185 190

Ala Ala Pro Ser Gly Val Gly Ser Leu Thr Met Ala Ser Gly Gly Gly
195 200 205
Ala Pro Val Ala Asp Asn Asn Glu Gly Ala Asp Gly Val Gly Ser Ser
210 215 220
Ser Gly Asn Trp His Cys Asp Ser Gln Trp Leu Gly Asp Arg Val Ile
225 230 235 240
Thr Thr Ser Thr Arg Thr Trp Ala Leu Pro Thr Tyr Asn Asn His Leu
245 250 255

Tyr Lys Gln Ile Ser Asn Ser Thr Ser Gly Gly Ser Ser Asn Asp Asn
260 265 270
Ala Tyr Phe Gly Tyr Ser Thr Pro Trp Gly Tyr Phe Asp Phe Asn Arg

275 280 285

Phe His Cys His Phe Ser Pro Arg Asp Trp Gln Arg Leu Ile Asn Asn

290 295 300

Asn Trp Gly Phe Arg Pro Lys Arg Leu Asn Phe Lys Leu Phe Asn Ile

305 310 315 320

Gln Val Lys Glu Val Thr Asp Asn Asn Gly Val Lys Thr Ile Ala Asn

325 330 335

Asn Leu Thr Ser Thr Val Gln Val Phe Thr Asp Ser Asp Tyr Gln Leu

340 345 350

Pro Tyr Val Leu Gly Ser Ala His Glu Gly Cys Leu Pro Pro Phe Pro

355 360 365

Ala Asp Val Phe Met Ile Pro Gln Tyr Gly Tyr Leu Thr Leu Asn Asp

370 375 380

Gly Ser Gln Ala Val Gly Arg Ser Ser Phe Tyr Cys Leu Glu Tyr Phe

385 390 395 400

Pro Ser Gln Met Leu Arg Thr Gly Asn Asn Phe Gln Phe Ser Tyr Glu

405 410 415

Phe Glu Asn Val Pro Phe His Ser Ser Tyr Ala His Ser Gln Ser Leu

420 425 430

Asp Arg Leu Met Asn Pro Leu Ile Asp Gln Tyr Leu Tyr Tyr Leu Ser

435 440 445

Arg Thr Ile Asn Gly Ser Gly Gln Asn Gln Gln Thr Leu Lys Phe Ser

450 455 460

Val Ala Gly Pro Ser Asn Met Ala Val Gln Gly Arg Asn Tyr Ile Pro

465 470 475 480

Gly Pro Ser Tyr Arg Gln Gln Arg Val Ser Thr Thr Val Thr Gln Asn

485 490 495

Asn Asn Ser Glu Phe Ala Trp Pro Gly Ala Ser Ser Trp Ala Leu Asn

500 505 510

Gly Arg Asn Ser Leu Met Asn Pro Gly Pro Ala Met Ala Ser His Lys

515 520 525

Glu Gly Glu Asp Arg Phe Phe Pro Leu Ser Gly Ser Leu Ile Phe Gly
530 535 540
Lys Gln Gly Thr Gly Arg Asp Asn Val Asp Ala Asp Lys Val Met Ile
545 550 555 560
Thr Asn Glu Glu Glu Ile Lys Thr Thr Asn Pro Val Ala Thr Glu Ser
565 570 575

Tyr Gly Gln Val Ala Thr Asn His Gln Ser Asp Gly Thr Leu Ala Val
580 585 590
Pro Phe Lys Ala Gln Ala Gln Thr Gly Trp Val Gln Asn Gln Gly Ile
595 600 605
Leu Pro Gly Met Val Trp Gln Asp Arg Asp Val Tyr Leu Gln Gly Pro
610 615 620
Ile Trp Ala Lys Ile Pro His Thr Asp Gly Asn Phe His Pro Ser Pro
625 630 635 640

Leu Met Gly Gly Phe Gly Met Lys His Pro Pro Pro Gln Ile Leu Ile
645 650 655
Lys Asn Thr Pro Val Pro Ala Asp Pro Pro Thr Ala Phe Asn Lys Asp
660 665 670
Lys Leu Asn Ser Phe Ile Thr Gln Tyr Ser Thr Gly Gln Val Ser Val
675 680 685
Glu Ile Glu Trp Glu Leu Gln Lys Glu Asn Ser Lys Arg Trp Asn Pro
690 695 700

Glu Ile Gln Tyr Thr Ser Asn Tyr Tyr Lys Ser Asn Asn Val Glu Phe
705 710 715 720
Ala Val Asn Thr Glu Gly Val Tyr Ser Glu Pro Arg Pro Ile Gly Thr
725 730 735
Arg Tyr Leu Thr Arg Asn Leu
740

<210> 5
<211> 743
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5

Met Ala Ala Asp Gly Tyr Leu Pro Asp Trp Leu Glu Asp Asn Leu Ser
1 5 10 15

Glu Gly Ile Arg Glu Trp Trp Ala Leu Lys Pro Gly Ala Pro Gln Pro
20 25 30

Lys Ala Asn Gln Gln His Gln Asp Asn Ala Arg Gly Leu Val Leu Pro
35 40 45

Gly Tyr Lys Tyr Leu Gly Pro Gly Asn Gly Leu Asp Lys Gly Glu Pro
50 55 60

Val Asn Ala Ala Asp Ala Ala Ala Leu Glu His Asp Lys Ala Tyr Asp
65 70 75 80

Gln Gln Leu Lys Ala Gly Asp Asn Pro Tyr Leu Lys Tyr Asn His Ala
85 90 95

Asp Ala Glu Phe Gln Glu Arg Leu Lys Glu Asp Thr Ser Phe Gly Gly
100 105 110

Asn Leu Gly Arg Ala Val Phe Gln Ala Lys Lys Arg Leu Leu Glu Pro
115 120 125

Leu Gly Leu Val Glu Glu Ala Ala Lys Thr Ala Pro Gly Lys Lys Arg
130 135 140

Pro Val Glu Gln Ser Pro Gln Glu Pro Asp Ser Ser Ala Gly Ile Gly
145 150 155 160

Lys Ser Gly Ala Gln Pro Ala Lys Lys Arg Leu Asn Phe Gly Gln Thr
165 170 175

Gly Asp Thr Glu Ser Val Pro Asp Pro Gln Pro Ile Gly Glu Pro Pro
180 185 190

Ala Ala Pro Ser Gly Val Gly Ser Leu Thr Met Ala Ser Gly Gly Gly
195 200 205

Ala Pro Val Ala Asp Asn Asn Glu Gly Ala Asp Gly Val Gly Ser Ser
210 215 220

Ser Gly Asn Trp His Cys Asp Ser Gln Trp Leu Gly Asp Arg Val Ile

225 230 235 240

Thr Thr Ser Thr Arg Thr Trp Ala Leu Pro Thr Tyr Asn Asn His Leu

245 250 255

Tyr Lys Gln Ile Ser Asn Ser Thr Ser Gly Gly Ser Ser Asn Asp Asn

260 265 270

Ala Tyr Phe Gly Tyr Ser Thr Pro Trp Gly Tyr Phe Asp Phe Asn Arg

275 280 285

Phe His Cys His Phe Ser Pro Arg Asp Trp Gln Arg Leu Ile Asn Asn

290 295 300

Asn Trp Gly Phe Arg Pro Lys Arg Leu Asn Phe Lys Leu Phe Asn Ile

305 310 315 320

Gln Val Lys Glu Val Thr Asp Asn Asn Gly Val Lys Thr Ile Ala Asn

325 330 335

Asn Leu Thr Ser Thr Val Gln Val Phe Thr Asp Ser Asp Tyr Gln Leu

340 345 350

Pro Tyr Val Leu Gly Ser Ala His Glu Gly Cys Leu Pro Pro Phe Pro

355 360 365

Ala Asp Val Phe Met Ile Pro Gln Tyr Gly Tyr Leu Thr Leu Asn Asp

370 375 380

Gly Ser Gln Ala Val Gly Arg Ser Ser Phe Tyr Cys Leu Glu Tyr Phe

385 390 395 400

Pro Ser Gln Met Leu Arg Thr Gly Asn Asn Phe Gln Phe Ser Tyr Glu

405 410 415

Phe Glu Asn Val Pro Phe His Ser Ser Tyr Ala His Ser Gln Ser Leu

420 425 430

Asp Arg Leu Met Asn Pro Leu Ile Asp Gln Tyr Leu Tyr Tyr Leu Ser

435 440 445

Arg Thr Ile Asn Gly Ser Gly Gln Asn Gln Gln Thr Leu Lys Phe Ser

450 455 460

Val Ala Gly Pro Ser Asn Met Ala Val Gln Gly Arg Asn Tyr Ile Pro

465 470 475 480

Gly Pro Ser Tyr Arg Gln Gln Arg Val Ser Thr Thr Val Thr Gln Asn
485 490 495
Asn Asn Ser Glu Phe Ala Trp Pro Gly Ala Ser Ser Trp Ala Leu Asn
500 505 510
Gly Arg Asn Ser Leu Met Asn Pro Gly Pro Ala Met Ala Ser His Lys
515 520 525

Glu Gly Glu Asp Arg Phe Phe Pro Leu Ser Gly Ser Leu Ile Phe Gly
530 535 540
Lys Gln Gly Thr Gly Arg Asp Asn Val Asp Ala Asp Lys Val Met Ile
545 550 555 560
Thr Asn Glu Glu Glu Ile Lys Thr Thr Asn Pro Val Ala Thr Glu Ser
565 570 575
Tyr Gly Gln Val Ala Thr Asn His Gln Ser Ala Gln Thr Leu Ala Val
580 585 590

Pro Phe Ser Asn Pro Ala Gln Thr Gly Trp Val Gln Asn Gln Gly Ile
595 600 605
Leu Pro Gly Met Val Trp Gln Asp Arg Asp Val Tyr Leu Gln Gly Pro
610 615 620
Ile Trp Ala Lys Ile Pro His Thr Asp Gly Asn Phe His Pro Ser Pro
625 630 635 640
Leu Met Gly Gly Phe Gly Met Lys His Pro Pro Pro Gln Ile Leu Ile
645 650 655

Lys Asn Thr Pro Val Pro Ala Asp Pro Pro Thr Ala Phe Asn Lys Asp
660 665 670
Lys Leu Asn Ser Phe Ile Thr Gln Tyr Ser Thr Gly Gln Val Ser Val
675 680 685
Glu Ile Glu Trp Glu Leu Gln Lys Glu Asn Ser Lys Arg Trp Asn Pro
690 695 700
Glu Ile Gln Tyr Thr Ser Asn Tyr Tyr Lys Ser Asn Asn Val Glu Phe
705 710 715 720

Ala Val Asn Thr Glu Gly Val Tyr Ser Glu Pro Arg Pro Ile Gly Thr

725 730 735

Arg Tyr Leu Thr Arg Asn Leu

740

<210> 6

<211> 2211

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6

atggctgccg atggttatct tccagattgg ctcgaggaca accttagtga aggaattcgc 60

gagtggtggg ctttgaaacc tggagcccct caacccaagg caaatcaaca acatcaagac 120

aacgctcgag gtcttgtgct tccgggttac aaataccttg gacccggcaa cggactcgac 180

aaggggggagc cggtcaacgc agcagacgcg gcggccctcg agcacgacaa ggcctacgac 240

cagcagctca aggccggaga caacccgtac ctcaagtaca accacgccga cgccgagttc 300

caggagcggc tcaaagaaga tacgtctttt gggggcaacc tcgggcgagc agtcttccag 360

gccaaaaaga ggcttcttga acctcttggt ctggttgagg aagcggctaa gacggctcct 420

ggaaagaaga ggcctgtaga gcagtctcct caggaaccgg actcctccgc gggtattggc 480

aaatcgggtg cacagcccgc taaaaagaga ctcaatttcg gtcagactgg cgacacagag 540

tcagtcccag accctcaacc aatcggagaa cctcccgcag ccccctcagg tgtgggatct 600

cttacaatgg cttcaggtgg tggcgcacca gtggcagaca ataacgaagg tgccgatgga 660

gtgggtagtt cctcgggaaa ttggcattgc gattcccaat ggctgggggа cagagtcatc 720

accaccagca cccgaacctg ggccctgccc acctacaaca atcacctcta caagcaaatc 780

tccaacagca catctggagg atcttcaaat gacaacgcct acttcggcta cagcaccccc 840

tgggggtatt ttgacttcaa cagattccac tgccacttct caccacgtga ctggcagcga 900

ctcatcaaca acaactgggg attccggcct aagcgactca acttcaagct cttcaacatt 960

caggtcaaag aggttacgga caacaatgga gtcaagacca tcgccaataa ccttaccagc 1020

acggtccagg tcttcacgga ctcagactat cagctcccgt acgtgctcgg gtcggctcac 1080

gagggctgcc tcccgccgtt cccagcggac gttttcatga ttcctcagta cgggtatctg 1140

acgcttaatg atggaagcca ggccgtgggt cgttcgtcct tttactgcct ggaatatttc 1200

ccgtcgcaaa tgctaagaac gggtaacaac ttccagttca gctacgagtt tgagaacgta 1260

cctttccata gcagctacgc tcacagccaa agcctggacc gactaatgaa tccactcatc 1320

gaccaatact tgtactatct ctcaaagact attaacggtt ctggacagaa tcaacaaacg 1380

ctaaaattca gtgtggccgg acccagcaac atggctgtcc agggaagaaa ctacatacct 1440

ggacccagct accgacaaca acgtgtctca accactgtga ctcaaaacaa caacagcgaa 1500

tttgcttggc ctggagcttc ttcttgggct ctcaatggac gtaatagctt gatgaatcct 1560

ggacctgcta tggccagcca caaagaagga gaggaccgtt tctttccttt gtctggatct 1620

ttaatttttg gcaaacaagg aactggaaga gacaacgtgg atgcggacaa agtcatgata 1680

accaacgaag aagaaattaa aactactaac ccggtagcaa cggagtccta tggacaagtg 1740

gccacaaacc accagagtgc ccaagcacag gcgcagaccg gctgggttca aaaccaagga 1800

atacttccgg gtatggtttg gcaggacaga gatgtgtacc tgcaaggacc catttgggcc 1860

aaaattcctc acacggacgg caactttcac ccttctccgc tgatgggagg gtttggaatg 1920

aagcacccgc ctcctcagat cctcatcaaa aacacacctg tacctgcgga tcctccaacg 1980

gccttcaaca aggacaagct gaactctttc atcacccagt attctactgg ccaagtcagc 2040

gtggagatcg agtgggagct gcagaaggaa aacagcaagc gctggaaccc ggagatccag 2100

tacacttcca actattacaa gtctaataat gttgaatttg ctgttaatac tgaaggtgta 2160

tatagtgaac cccgccccat tggcaccaga tacctgactc gtaatctgta a 2211

<210> 7

<211> 2230

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7

atggctgccg atggttatct tccagattgg ctcgaggaca accttagtga aggaattcgc 60

gagtggtggg ctttgaaacc tggagcccct caacccaagg caaatcaaca acatcaagac 120

aacgctcgag gtcttgtgct tccgggttac aaataccttg gacccggcaa cggactcgac 180

aaggggggagc ggtcaacgca gcagacgcgg cggccctcga gcacgacaag cctacgacca 240

gcagctcaag gccggagaca acccgtacct caagtacaac cacgccgacg ccgagttcca 300

ggagcggctc aaagaagata cgtcttttgg gggcaacctc gggcgagcag tcttccaggc 360

caaaaagagg cttcttgaac ctcttggtct ggttgaggaa gcggctaaga cggctcctgg 420

aaagaagagg cctgtagagc agtctcctca ggaaccggac tcctccgcgg gtattggcaa 480

atcgggtgca cagcccgcta aaaagagact caatttcggt cagactggcg acacagagtc 540

agtcccagac cctcaaccaa tcggagaacc tcccgcagcc ccctcaggtg tgggatctct 600

tacaatggct tcaggtggtg gcgcaccagt ggcagacaat aacgaaggtg ccgatggagt 660

gggtagttcc tcgggaaatt ggcattgcga ttcccaatgg ctgggggaca gagtcatcac 720

caccagcacc cgaacctggg ccctgcccac ctacaacaat cacctctaca agcaaatctc 780

caacagcaca tctggaggat cttcaaatga caacgcctac ttcggctaca gcacccctg 840

ggggtatttt gacttcaaca gattccactg ccacttctca ccacgtgact ggcagcgact 900

catcaacaac aactggggat tccggcctaa gcgactcaac ttcaagctct tcaacattca 960

ggtcaaagag gttacggaca acaatggagt caagaccatc gccaataacc ttaccagcac 1020

ggtccaggtc ttcacggact cagactatca gctcccgtac gtgctcgggt cggctcacga 1080

gggctgcctc ccgccgttcc cagcggacgt tttcatgatt cctcagtacg ggtatctgac 1140

gcttaatgat ggaagccagg ccgtgggtcg ttcgtccttt tactgcctgg aatatttccc 1200

gtcgcaaatg ctaagaacgg gtaacaactt ccagttcagc tacgagtttg agaacgtacc 1260

tttccatagc agctacgctc acagccaaag cctggaccga ctaatgaatc cactcatcga 1320

ccaatacttg tactatctct ctagaactat taacggttct ggacagaatc aacaaacgct 1380

aaaattcagt gtggccggac ccagcaacat ggctgtccag ggaagaaact acatacctgg 1440

acccagctac cgacaacaac gtgtctcaac cactgtgact caaaacaaca acagcgaatt 1500

tgcttggcct ggagcttctt cttgggctct caatggacgt aatagcttga tgaatcctgg 1560

acctgctatg gccagccaca aagaaggaga ggaccgtttc tttcctttgt ctggatcttt 1620

aatttttggc aaacaaggta ccggcagaga caacgtggat gcggacaaag tcatgataac 1680

caacgaagaa gaaattaaaa ctactaaccc ggtagcaacg gagtcctatg gacaagtggc 1740

cacaaaccac cagagtgccc aaactttggc ggtgcctttt aaggcacagg cgcagaccgg 1800

ttgggttcaa aaccaaggaa tacttccggg tatggtttgg caggacagag atgtgtacct 1860

gcaaggaccc atttgggcca aaattcctca cacggacggc aactttcacc cttctccgct 1920

gatgggaggg tttggaatga agcacccgcc tcctcagatc ctcatcaaaa acacacctgt 1980

acctgcggat cctccaacgg ccttcaacaa ggacaagctg aactctttca tcacccagta 2040

ttctactggc caagtcagcg tggagatcga gtgggagctg cagaaggaaa acagcaagcg 2100

ctggaacccg gagatccagt acacttccaa ctattacaag tctaataatg ttgaatttgc 2160

tgttaatact gaaggtgtat atagtgaacc ccgccccatt ggcaccagat acctgactcg 2220

taatctgtaa 2230

<210> 8

<211> 2232

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8

atggctgccg atggttatct tccagattgg ctcgaggaca accttagtga aggaattcgc 60

gagtggtggg ctttgaaacc tggagcccct caacccaagg caaatcaaca acatcaagac 120

aacgctcgag gtcttgtgct tccgggttac aaataccttg gacccggcaa cggactcgac 180

aaggggggagc cggtcaacgc agcagacgcg gcggccctcg agcacgacaa ggcctacgac 240

cagcagctca aggccggaga caacccgtac ctcaagtaca accacgccga cgccgagttc 300

caggagcggc tcaaagaaga tacgtctttt gggggcaacc tcgggcgagc agtcttccag 360

gccaaaaaga ggcttcttga acctcttggt ctggttgagg aagcggctaa gacggctcct 420

ggaaagaaga ggcctgtaga gcagtctcct caggaaccgg actcctccgc gggtattggc 480

aaatcgggtg cacagcccgc taaaaagaga ctcaatttcg gtcagactgg cgacacagag 540

tcagtcccag accctcaacc aatcggagaa cctcccgcag ccccctcagg tgtgggatct 600

cttacaatgg cttcaggtgg tggcgcacca gtggcagaca ataacgaagg tgccgatgga 660

gtgggtagtt cctcgggaaa ttggcattgc gattcccaat ggctgggggа cagagtcatc 720

accaccagca cccgaacctg ggccctgccc acctacaaca atcacctcta caagcaaatc 780

tccaacagca catctggagg atcttcaaat gacaacgcct acttcggcta cagcaccccc 840

tgggggtatt ttgacttcaa cagattccac tgccacttct caccacgtga ctggcagcga 900

ctcatcaaca acaactgggg attccggcct aagcgactca acttcaagct cttcaacatt 960

caggtcaaag aggttacgga caacaatgga gtcaagacca tcgccaataa ccttaccagc 1020

acggtccagg tcttcacgga ctcagactat cagctcccgt acgtgctcgg gtcggctcac 1080

gagggctgcc tcccgccgtt cccagcggac gttttcatga ttcctcagta cgggtatctg 1140

acgcttaatg atggaagcca ggccgtgggt cgttcgtcct tttactgcct ggaatatttc 1200

ccgtcgcaaa tgctaagaac gggtaacaac ttccagttca gctacgagtt tgagaacgta 1260

cctttccata gcagctacgc tcacagccaa agcctggacc gactaatgaa tccactcatc 1320

gaccaatact tgtactatct ctcaaagact attaacggtt ctggacagaa tcaacaaacg 1380

ctaaaattca gtgtggccgg acccagcaac atggctgtcc agggaagaaa ctacatacct 1440

ggacccagct accgacaaca acgtgtctca accactgtga ctcaaaacaa caacagcgaa 1500

tttgcttggc ctggagcttc ttcttgggct ctcaatggac gtaatagctt gatgaatcct 1560

ggacctgcta tggccagcca caaagaagga gaggaccgtt tctttccttt gtctggatct 1620

ttaatttttg gcaaacaagg aactggaaga gacaacgtgg atgcggacaa agtcatgata 1680

accaacgaag aagaaattaa aactactaac ccggtagcaa cggagtccta tggacaagtg 1740

gccacaaacc accagagtgc ccaacaggcg gttaggacgt ctttggcaca ggcgcagacc 1800

ggctgggttc aaaaccaagg aatacttccg ggtatggttt ggcaggacag agatgtgtac 1860

ctgcaaggac ccatttgggc caaaattcct cacacggacg gcaactttca cccttctccg 1920

ctgatgggag ggtttggaat gaagcacccg cctcctcaga tcctcatcaa aaacacacct 1980

gtacctgcgg atcctccaac ggccttcaac aaggacaagc tgaactcttt catcacccag 2040

tattctactg gccaagtcag cgtggagatc gagtgggagc tgcagaagga aaacagcaag 2100

cgctggaacc cggagatcca gtacacttcc aactattaca agtctaataa tgttgaattt 2160

gctgttaata ctgaaggtgt atatagtgaa ccccgcccca ttggcaccag atacctgact 2220

cgtaatctgt aa 2232

<210> 9

<211> 2232

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9

atggctgccg atggttatct tccagattgg ctcgaggaca accttagtga aggaattcgc 60

gagtggtggg ctttgaaacc tggagcccct caacccaagg caaatcaaca acatcaagac 120

aacgctcgag gtcttgtgct tccgggttac aaataccttg gacccggcaa cggactcgac 180

aaggggggagc cggtcaacgc agcagacgcg gcggccctcg agcacgacaa ggcctacgac 240

cagcagctca aggccggaga caacccgtac ctcaagtaca accacgccga cgccgagttc 300

caggagcggc tcaaagaaga tacgtctttt gggggcaacc tcgggcgagc agtcttccag 360

gccaaaaaga ggcttcttga acctcttggt ctggttgagg aagcggctaa gacggctcct 420

ggaaagaaga ggcctgtaga gcagtctcct caggaaccgg actcctccgc gggtattggc 480

aaatcgggtg cacagcccgc taaaaagaga ctcaatttcg gtcagactgg cgacacagag 540

tcagtcccag accctcaacc aatcggagaa cctcccgcag ccccctcagg tgtgggatct 600

cttacaatgg cttcaggtgg tggcgcacca gtggcagaca ataacgaagg tgccgatgga 660

gtgggtagtt cctcgggaaa ttggcattgc gattcccaat ggctgggggga cagagtcatc 720

accaccagca cccgaacctg ggccctgccc acctacaaca atcacctcta caagcaaatc 780

tccaacagca catctggagg atcttcaaat gacaacgcct acttcggcta cagcaccccc 840

tgggggtatt ttgacttcaa cagattccac tgccacttct caccacgtga ctggcagcga 900

ctcatcaaca acaactgggg attccggcct aagcgactca acttcaagct cttcaacatt 960

caggtcaaag aggttacgga caacaatgga gtcaagacca tcgccaataa ccttaccagc 1020

acggtccagg tcttcacgga ctcagactat cagctcccgt acgtgctcgg gtcggctcac 1080

gagggctgcc tcccgccgtt cccagcggac gttttcatga ttcctcagta cgggtatctg 1140

acgcttaatg atggaagcca ggccgtgggt cgttcgtcct tttactgcct ggaatatttc 1200

ccgtcgcaaa tgctaagaac gggtaacaac ttccagttca gctacgagtt tgagaacgta 1260

cctttccata gcagctacgc tcacagccaa agcctggacc gactaatgaa tccactcatc 1320

gaccaatact tgtactatct ctctagaact attaacggtt ctggacagaa tcaacaaacg 1380

ctaaaattca gtgtggccgg acccagcaac atggctgtcc agggaagaaa ctacatacct 1440

ggacccagct accgacaaca acgtgtctca accactgtga ctcaaaacaa caacagcgaa 1500

tttgcttggc ctggagcttc ttcttgggct ctcaatggac gtaatagctt gatgaatcct 1560

ggacctgcta tggccagcca caaagaagga gaggaccgtt tctttccttt gtctggatct 1620

ttaatttttg gcaaacaagg taccggcaga gacaacgtgg atgcggacaa agtcatgata 1680

accaacgaag aagaaattaa aactactaac ccggtagcaa cggagtccta tggacaagtg 1740

gccacaaacc accagagtga tgggactttg gcggtgcctt ttaaggcaca ggcgcagacc 1800

ggttgggttc aaaaccaagg aatacttccg ggtatggttt ggcaggacag agatgtgtac 1860

ctgcaaggac ccatttgggc caaaattcct cacacggacg gcaactttca cccttctccg 1920

ctgatgggag ggtttggaat gaagcacccg cctcctcaga tcctcatcaa aaacacacct 1980

gtacctgcgg atcctccaac ggccttcaac aaggacaagc tgaactcttt catcacccag 2040

tattctactg gccaagtcag cgtggagatc gagtgggagc tgcagaagga aaacagcaag 2100

cgctggaacc cggagatcca gtacacttcc aactattaca agtctaataa tgttgaattt 2160

gctgttaata ctgaaggtgt atatagtgaa ccccgcccca ttggcaccag atacctgact 2220

cgtaatctgt aa 2232

<210> 10

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10

acgttgcaga ttccttttaa g 21

<210> 11

<211

> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11

accgccctca aacccttcct c 21

<210> 12

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12

accaccctca aacccttcct c 21

<210> 13

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13

agcatcgaaa gacccttcaa a 21

<210> 14

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14

acccaaaaca gacccttcct c 21

<210> 15

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15

accatgcaaa aacccttcat c 21

<210> 16

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 16

actagtacgc ggccgttttt g 21

<210> 17

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 17

ggcaccttcg tccccccac c 21

<210> 18

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 18

tggtcgacta atgcgggtta t 21

<210> 19

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 19

accctcgaaa gacccttcac c 21

<210> 20

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 20

actgctgcta agccgtttct g 21

<210> 21

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 21

attaggattg gttattcgca g 21

<210> 22

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 22

gagcgtgtgg gttttgctca g 21

<210> 23

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 23

gccgacctcc tcaactacag a 21

<210> 24

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 24

ctcgtcgccg gcttcagcca a 21

<210> 25

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 25

tcgtctctga agccttttct g 21

<210> 26

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 26

acgcattcta ggccgtttat t 21

<210> 27

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 27

cctttcctg gttattctgc g 21

<210> 28

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 28

attattgttg ggtatagtca g 21

<210> 29

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 29

aggtatcagg gtgattctgt t 21

<210> 30

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 30

aggtatgctg gggattctat t 21

<210> 31

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 31

aagacgattg gggagcattg g 21

<210> 32

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 32

tggatgacgc atggttctgc g 21

<210> 33

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 33

gctgcttcga ggccgtttct t 21

<210> 34

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 34

actacttcta ggccgtttct t 21

<210> 35

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 35

gctcgtgtgg gtttggctca g 21

<210> 36

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 36

gggactagtc cgaatcttgc g 21

<210> 37

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 37

gtgcgtacgg ggtatagttc t 21

<210> 38

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 38

attcgggtgg ggtatagttc t 21

<210> 39

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 39

actactttgc gtccgtttat t 21

<210> 40

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 40

ggtattacgt ctctgtttaa g 21

<210> 41

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 41

accacccaaa ccccttcag a 21

<210> 42

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 42

actgtgtcga ggccgttttt g 21

<210> 43

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 43

tatgggacga atccgtttcg t 21

<210> 44

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 44

cccaccatgg tcgacagcag c 21

<210> 45

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 45

aataaggcta gttctcagaa t 21

<210> 46

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 46

acttttcgta gttcgaatga t 21

<210> 47

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 47

ctgccggatc gttatcctaa t 21

<210> 48

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 48

cagaatgtta cgaagggtgt t 21

<210> 49

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 49

gctcagtctc cgattcttcg g 21

<210> 50

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 50

gtggctactg gttattcttc g 21

<210> 51

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 51

ttgaattcga atcggcctaa t 21

<210> 52

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 52

acgattcgta ataatacgat t 21

<210> 53

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 53

gatcttagtc gtatttttaa g 21

<210> 54

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 54

ctcagcaaca gcgccagcca a 21

<210> 55

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 55

ctcgaaaaca tggtcatgag c 21

<210> 56

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 56

ttgactcagc agacggatgt t 21

<210> 57

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 57

gccggcctcg cccacgccac c 21

<210> 58

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 58

aatgctcata ctgcgctgga t 21

<210> 59

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 59

tggccgattc ttcgggctga t 21

<210> 60

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 60

gcgctggctg gtctgtctct g 21

<210> 61

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 61

cgtattgata tgccttttaa g 21

<210> 62

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 62

acgatgtcgt tgagtagtag t 21

<210> 63

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 63

caaaacgtcg ccaaaaacct c 21

<210> 64

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 64

ttcgacaacc ccaacaacgt c 21

<210> 65

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 65

gtcctcatga gagaaagcct c 21

<210> 66

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 66

caccacgaca ccggcagcgc c 21

<210> 67

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 67

gatgcgccga atagtgtgga t 21

<210> 68

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 68

actgcgagta gggatgctaa g 21

<210> 69

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 69

actaattata cgaagcagat t 21

<210> 70

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 70

cctcataatg cttctgtgtt g 21

<210> 71

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 71

accaacaaca ccagaaacat c 21

<210> 72

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 72

atggttccta atcattctgg t 21

<210> 73

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 73

ccggtgccgc agtctgagca t 21

<210> 74

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 74

ctctaccacg gcggcagcac c 21

<210> 75

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 75

atgattcata ctagggagac g 21

<210> 76

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 76

actaataata cgaagcctct t 21

<210> 77

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 77

ctcaacacca ccagaaacac c 21

<210> 78

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 78

gctttgcata attctcagaa t 21

<210> 79

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 79

gtgaatagta cgaggaatgt t 21

<210> 80

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 80

ggtgttgggg ttgttacgaa g 21

<210> 81

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 81

gttttgtcga agcagttggc t 21

<210> 82

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 82

tctaagtctc tgcagccgtt g 21

<210> 83

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 83

tcgaattcta cgcggttggt t 21

<210> 84

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 84

ctcaaccaaa ccaaacaaat c 21

<210> 85

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 85

aacaacagcg tcagacaact c 21

<210> 86

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 86

atgtcggggt attcgcatac t 21

<210> 87

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 87

gtcaaagtcc ccatcatcac c 21

<210> 88

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 88

gggaataata ctcgggcggt g 21

<210> 89

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 89

cagaatcaga ttaagaatat t 21

<210> 90

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 90

accaacatga ccaaacccct c 21

<210> 91

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 91

aacaacagca ccagactcag c 21

<210> 92

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 92

agcatgctca ccagcatcgt c 21

<210> 93

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 93

ctcaacgcca ccgccagcag a 21

<210> 94

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 94

aatactgggg tgcaggttag g 21

<210> 95

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 95

accaacaccg tcagacccat c 21

<210> 96

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 96

cagtctacgc cgggggctac t 21

<210> 97

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 97

ggtcattctg agaattctcg t 21

<210> 98

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 98

ctccccaccc aaaccctcag a 21

<210> 99

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 99

aagaatgctc cgatgcctga t 21

<210> 100

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 100

agcaacagca ccaaacccac c 21

<210> 101

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 101

cctattatta ctatgcctgc t 21

<210> 102

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 102

cccctcaaag gcatcggcag c 21

<210> 103

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 103

gtcctcagcg tcaaccacct c 21

<210> 104

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 104

agtgtggctg ctgtgcatat g 21

<210> 105

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 105

agcaacagca tcagactcgt c 21

<210> 106

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 106

cataatgata ctcgtcctct t 21

<210> 107

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 107

cctccggtga ggtctacggc t 21

<210> 108

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 108

atgaacaccg tcagaaacct c 21

<210> 109

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 109

ttgacggatg gtcatcggat t 21

<210> 110

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 110

acgaatgcgg tgaagctgac t 21

<210> 111

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 111

cgtgtggatg cggttttgag t 21

<210> 112

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 112

accaacgccg tcaaaagcac c 21

<210> 113

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 113

atgctcaaca ccaccgccag a 21

<210> 114

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 114

ggcaacaaca ccagacccac c 21

<210> 115

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 115

cagtctgggg gtagtgcgtt g 21

<210> 116

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 116

gtgattgctt tgtctactat g 21

<210> 117

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 117

ctgaatacga ttcggaatgt g 21

<210> 118

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 118

agcaacgcca ccagaagcgt c 21

<210> 119

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 119

ggcaacggca ccaaattcat c 21

<210> 120

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 120

agcaacacca tcagacccgt c 21

<210> 121

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 121

agcaacagca ccagagccat c 21

<210> 122

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 122

tttcatttga ctgatagggg t 21

<210> 123

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 123

ccgattaggt cggatactgt g 21

<210> 124

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 124

gccaaccaaa tccacaacac c 21

<210> 125

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 125

tcgaatacgg ttcggaatac t 21

<210> 126

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 126

accagcctcg gctacagcag c 21

<210> 127

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 127

atcagcggcg tccaaaccag a 21

<210> 128

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 128

tcgaatgctg ttaggcagac t 21

<210> 129

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 129

tctctttctg agcttaggat t 21

<210> 130

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 130

agtactgaga agagggatga g 21

<210> 131

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 131

aacctcgtcg gcaccctcat c 21

<210> 132

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 132

ggcaacaaca tcagactcac c 21

<210> 133

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 133

gccgtcccca ccggcctcag a 21

<210> 134

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 134

ggtgataata gtctgactag g 21

<210> 135

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 135

cacgccgaca acagactcaa a 21

<210> 136

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 136

agcaacgcca ccagaaactt c 21

<210> 137

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 137

gggaatacga ctagggggct g 21

<210> 138

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 138

ctcaacctca ccgccaccaa c 21

<210> 139

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 139

agcggcgtca gcaccaccga c 21

<210> 140

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 140

tatgctaaga cgttggctat g 21

<210> 141

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 141

atgaaccaca ccaaacccac c 21

<210> 142

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 142

gctaatgcta cgaggaattc t 21

<210> 143

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 143

caaaaccaaa ccaaaatcac c 21

<210> 144

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 144

tctaatgcta ttaaggctac g 21

<210> 145

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 145

tatcctgata attatggtaa g 21

<210> 146

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 146

ggcaacacca ccatcagaag c 21

<210> 147

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 147

ctgggtctta cgggtgcggt t 21

<210> 148

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 148

gcgaatagta cgcgtattct g 21

<210> 149

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 149

gataatgcga ttcgtgcgca g 21

<210> 150

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 150

acgaattata ctaagcttat g 21

<210> 151

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 151

cataatagtc ctagtagtta t 21

<210> 152

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 152

gagaatatgg ttcggtctgt g 21

<210> 153

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 153

accaacaaca tcaaaagcta c 21

<210> 154

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 154

actaattcga cgaggcctgt g 21

<210> 155

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 155

catacggctc cgcctcatcc t 21

<210> 156

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 156

gccctcagcc aaaacaccag c 21

<210> 157

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 157

ccgaatgtga ctaagaatgc t 21

<210> 158

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 158

cttgatacgc tgacgggtta t 21

<210> 159

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 159

cctaatagtg tgcgttctgt t 21

<210> 160

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 160

accagcagcc acctccccca c 21

<210> 161

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 161

gttcttcatg gtggtaatga t 21

<210> 162

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 162

agcaactacg tcaaaagcgc c 21

<210> 163

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 163

gacaacaaca gcaccagatg g 21

<210> 164

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 164

actgtgatga agggttttac t 21

<210> 165

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 165

agccacaccc tcagcaccct c 21

<210> 166

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 166

cctggtcctc agcaggcgaa g 21

<210> 167

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 167

acttttggga cgtctaagtt g 21

<210> 168

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 168

agcaacgccg tcaccaacag a 21

<210> 169

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 169

ttgtctatgt cgacggtgcc t 21

<210> 170

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 170

aggcgttatg atggtaggga g 21

<210> 171

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 171

accaacagca ccaaaaacat c 21

<210> 172

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 172

attaatgctc agtggtctgc g 21

<210> 173

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 173

gcccaaacca gcaacgaccc c 21

<210> 174

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 174

acgaatgaga ctaggatggt g 21

<210> 175

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 175

gccaacgcca ccagaggcgt c 21

<210> 176

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 176

gcggatgtga atgcttcggg t 21

<210> 177

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 177

cttagtgagc ggaattatgt g 21

<210> 178

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 178

agtggtgagc ttgcgcgggc g 21

<210> 179

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 179

gggaatactg ctaagaatat t 21

<210> 180

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 180

gacaacgccg tcagacccct c 21

<210> 181

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 181

atgatgctca gcggcctcaa c 21

<210> 182

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 182

cccaacacca tcagaaacgt c 21

<210> 183

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 183

gagaatttga cgcgtggggt g 21

<210> 184

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 184

tttagtgctc ggagtacggg g 21

<210> 185

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 185

gaaaacgcca ccagaaccta c 21

<210> 186

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 186

ggcaacagca ccagaatgaa c 21

<210> 187

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 187

gggaattcta ctaagtctcc t 21

<210> 188

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 188

atgcaaacca ccctccacct c 21

<210> 189

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 189

aaccccaccc tcatcaccct c 21

<210> 190

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 190

cttatttctg gtcatgcgca g 21

<210> 191

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 191

ttcaaccaag tcagaagcct c 21

<210> 192

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 192

atgaacatcc tcagagaagt c 21

<210> 193

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 193

agtgctatga tgcgtggtgt t 21

<210> 194

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 194

cccatgctca gcagccccag c 21

<210> 195

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 195

cagaataata cgcttaggtc g 21

<210> 196

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 196

aggcattcgg atccggtgga g 21

<210> 197

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 197

gtgaatacga cgttttctac g 21

<210> 198

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 198

atcaacagca ccagaggcat c 21

<210> 199

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 199

accaacgccg tcagagacct c 21

<210> 200

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 200

tctaatagta ctaggctgtc g 21

<210> 201

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 201

acgtctattg ctgggtcgtt t 21

<210> 202

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 202

ctcggcagca cctaccccag a 21

<210> 203

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 203

gccaacgtca ccacccaaag a 21

<210> 204

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 204

agcaacagcg tcagactcag c 21

<210> 205

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 205

gctacgaatg agcctgatcg g 21

<210> 206

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 206

agaatgaacc ccgaacaaag c 21

<210> 207

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 207

tcggttagtg gttcggctaa t 21

<210> 208

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 208

ccgagtaata gtactacgcg t 21

<210> 209

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 209

ctttttcatg gtacgcatga g 21

<210> 210

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 210

ccccaactcg gcagcaccaa a 21

<210> 211

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 211

cccatcagcg ccaacagact c 21

<210> 212

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 212

aattcgggta atctttctat g 21

<210> 213

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 213

aaggttgagg ctattgggat g 21

<210> 214

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 214

aagactttgc ttaatagtgt t 21

<210> 215

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 215

aatgctatgg atcttaaggt g 21

<210> 216

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 216

atgatgggta atgggtcttc g 21

<210> 217

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 217

agcaacagca ccaaagccct c 21

<210> 218

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 218

tctaatagta cgcggggtac g 21

<210> 219

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 219

agcctcagca gcctccacgt c 21

<210> 220

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 220

accctcagcg gcgccctcac c 21

<210> 221

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 221

ccgaatacgg tgaggaataa t 21

<210> 222

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 222

aataataatg tgaagatgac t 21

<210> 223

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 223

tctgttgcta agccttttat g 21

<210> 224

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 224

acgcagacga ctcggctttc g 21

<210> 225

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 225

aataatgcga ctcggggtgg g 21

<210> 226

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 226

accaacacca ccgccagaat c 21

<210> 227

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 227

gagaatagta ttcggactat t 21

<210> 228

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 228

attagggaga cttctgggaa g 21

<210> 229

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 229

agcatctact accacaccga a 21

<210> 230

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 230

gtcctcgaca acagcggcca a 21

<210> 231

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 231

agccacaaca tgaccatcag a 21

<210> 232

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 232

accatcccca gcgccggcaa a 21

<210> 233

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 233

cctaggcata ctttgagtca g 21

<210> 234

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 234

tcgcttaatg tgcaggatgt g 21

<210> 235

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 235

tatcagtctc tggctaatcc g 21

<210> 236

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 236

attctgaata tgtctacgga t 21

<210> 237

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 237

gtcctccacc tcggccacag c 21

<210> 238

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 238

ggtgttactc agactccgcg t 21

<210> 239

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 239

accaacgaca ccagaagaat c 21

<210> 240

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 240

caaaccgacc acaccagcag a 21

<210> 241

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 241

aagaatgaga ttaagaatgt g 21

<210> 242

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 242

tggactggta atgagaggct t 21

<210> 243

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 243

ggtaagagtg atgctatgcg g 21

<210> 244

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 244

gggaatgcga ctcgtactta t 21

<210> 245

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 245

gccagcaacc tcggcctccc c 21

<210> 246

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 246

agcagcctca gcggcagccc c 21

<210> 247

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 247

gccgccgtca accaaggcgt c 21

<210> 248

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 248

gaccaaaacc aacccagaga a 21

<210> 249

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 249

ctcacccaag acaaacaagc c 21

<210> 250

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 250

ttcggcagca acgaacacaa c 21

<210> 251

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 251

ctgaatcagc cgaatgtgcg g 21

<210> 252

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 252

atgaatacta cgcgtaatct g 21

<210> 253

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 253

actaattcta ctaggacgag t 21

<210> 254

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 254

tttgagcttt cgcatgtgcc t 21

<210> 255

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 255

gaaggcctcg gcaacgccgc c 21

<210> 256

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 256

ctcaccgtca ccctcaacca c 21

<210> 257

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 257

tttgggaatg cgattcagtc t 21

<210> 258

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 258

ccgggtgggg gtttgactcc g 21

<210> 259

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 259

cccaacatga ccagaagcct c 21

<210> 260

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 260

agtcagctgc ataggttgca g 21

<210> 261

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 261

aatgatcctg tgctgactgt g 21

<210> 262

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 262

gaaaacagcg tcagaaccac c 21

<210> 263

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 263

gatcgtgtga ctaatccgaa g 21

<210> 264

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 264

ctcaacaccg gccaaatgag a 21

<210> 265

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 265

attagtcctt ctcaggtgaa g 21

<210> 266

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 266

tacagcgccg acaaaaccac c 21

<210> 267

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 267

attgatagtg cggggatggc g 21

<210> 268

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 268

agcaacaaca tcaaactcaa c 21

<210> 269

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 269

cttgagacgc agcctaggac t 21

<210> 270

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 270

aatttgcata gtaatgtgct g 21

<210> 271

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 271

atggtcaaag acacccaact c 21

<210> 272

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 272

ctcatgcacc tcaccaaccc c 21

<210> 273

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 273

gtcgccagcc ccgacaaaag a 21

<210> 274

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 274

gtcgtcgccg tcctcaccag c 21

<210> 275

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 275

aacatcatgg tcaacgtccc c 21

<210> 276

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 276

ccgtatagtg ggcagcggac t 21

<210> 277

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 277

cctctgctta agacgaatac t 21

<210> 278

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 278

gggaatacta cggtgcgtgg g 21

<210> 279

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 279

accaacaaag tcagagacga c 21

<210> 280

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 280

cccagcaccg ccctcctcgt c 21

<210> 281

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 281

atccaaagca tcaccctcaa a 21

<210> 282

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 282

cccctccacg ccaacatgag c 21

<210> 283

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 283

accgcccacg ccgaagccag a 21

<210> 284

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 284

acgaatacgg attcgtatcg t 21

<210> 285

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 285

acccacgtca gcctcgacag a 21

<210> 286

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 286

tttagtacga aggatcatgt t 21

<210> 287

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 287

gacaacaccc aaaccgcccc c 21

<210> 288

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 288

agcaacagaa tcatcagcgg c 21

<210> 289

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 289

actaattctg ttaggaataa t 21

<210> 290

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 290

agcaacgaag tcagaaacat g 21

<210> 291

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 291

gaactctaca aacccagcag a 21

<210> 292

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 292

tggattacgg ggggtgcgag t 21

<210> 293

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 293

aacaacagcg tcagacccac c 21

<210> 294

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 294

cacaccgccg tcctcagaac c 21

<210> 295

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 295

aatactttgt ctcttgctcc t 21

<210> 296

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 296

cccaacgcca gcgtcaacag c 21

<210> 297

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 297

gttactggtg ggaatactta t 21

<210> 298

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 298

gtcaacgaaa acctcatcga a 21

<210> 299

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 299

gttttgacga ctcattcgaa t 21

<210> 300

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 300

cacacccaac tccccctcac c 21

<210> 301

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 301

cggcagtctc ttgaggcgtt g 21

<210> 302

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 302

cccgacgtca ccgaaggcag a 21

<210> 303

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 303

ccgactaata ttatgcttga t 21

<210> 304

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 304

cccaacatga gcgccatgat c 21

<210> 305

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 305

attatgaatg gtcaggctct g 21

<210> 306

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 306

aataataatt cgacgcgttt t 21

<210> 307

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 307

gccaacgtca ccagaagcac c 21

<210> 308

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 308

cagaatcttg gtcttaatgt g 21

<210> 309

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 309

caagcccaaa tgagcagcgc c 21

<210> 310

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 310

ctcaccatgg ccaccaacgt c 21

<210> 311

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 311

gatcgtgatt ctgtgcagaa t 21

<210> 312

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 312

gtcaacccca ccaacaacct c 21

<210> 313

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 313

ccgtctttta cgactatgag t 21

<210> 314

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 314

agggagacgc ctattcctaa g 21

<210> 315

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 315

agcctcaact tcaccaccgc c 21

<210> 316

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 316

ggtatgagtg gggttgctca g 21

<210> 317

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 317

aaggttgatg cggctcagag t 21

<210> 318

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 318

catattacga ctaatgtgtc t 21

<210> 319

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 319

gagcgggagt cggctcgtct t 21

<210> 320

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 320

gataatagga ctcagaggac g 21

<210> 321

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 321

tctgcgccta atgtgactat t 21

<210> 322

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 322

gaaaacggca ccagaaacac c 21

<210> 323

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 323

ggcaccgccg tcttcaccgc c 21

<210> 324

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 324

gccaacaaca tgagccaaac c 21

<210> 325

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 325

ggtaatcata cttataatct g 21

<210> 326

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 326

ctgagtcctt cgaattctaa t 21

<210> 327

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 327

atgggcgccg accacagaac c 21

<210> 328

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 328

agtaattcga cgcgtggttc t 21

<210> 329

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 329

aatacttctg gtgtgcctaa g 21

<210> 330

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 330

atcaacaccg ccgtcgtcag c 21

<210> 331

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 331

atgggggttc aggcttatgt g 21

<210> 332

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 332

gggaattttg ttaagccgaa t 21

<210> 333

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 333

gtgaattcgg tgaggatgat t 21

<210> 334

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 334

cacgacagcg ccaacagcag a 21

<210> 335

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 335

ctcggcgtca gagacgacag c 21

<210> 336

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 336

agcaacgccg tcagagccaa c 21

<210> 337

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 337

cccgtcctcg ccgccaccat g 21

<210> 338

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 338

aataagcctg tgtctggtaa t 21

<210> 339

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 339

gtcggcctcg ccagccacac c 21

<210> 340

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 340

ggcagcaaca ccaacatgaa a 21

<210> 341

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 341

gttgctacta ctgtgcataa t 21

<210> 342

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 342

aacaccctcg acagcagagt c 21

<210> 343

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 343

agggaggcta atttgcaggc g 21

<210> 344

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 344

gtcgacgccc tcagccacat g 21

<210> 345

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 345

cttcgtcttg ctggtcttgc t 21

<210> 346

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 346

attacggtga ctaattattc g 21

<210> 347

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 347

tgggacagcg gcagcggcga a 21

<210> 348

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 348

ttcgccagcg aaaccgtcgc c 21

<210> 349

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 349

cagaatgtta cggggacgag g 21

<210> 350

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 350

cttaatgggt tgaatgtgtc t 21

<210> 351

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 351

aatatgctta agcagagtga g 21

<210> 352

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 352

tttaatgagg ttccgaaggc g 21

<210> 353

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 353

ctcggcgaca tcaccggctt c 21

<210> 354

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 354

atttcggctt ctcattctcg t 21

<210> 355

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 355

agtcagacgc agattgctct t 21

<210> 356

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 356

aatatggcta ctcagatgaa g 21

<210> 357

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 357

gtcaaccaca acatcagact c 21

<210> 358

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 358

aacgccctcc aagtccccgt c 21

<210> 359

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 359

aattcgacgg gtattgatac g 21

<210> 360

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 360

gttgttgctg ggcatcttaa t 21

<210> 361

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 361

cggaatgatg cgattctgaa t 21

<210> 362

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 362

aatcgggttg attcgcgggc t 21

<210> 363

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 363

tcgacgcatt ctacttatgt g 21

<210> 364

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 364

agtgggcatg ggactctgcg g 21

<210> 365

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 365

cccaacagca ccaccctcag c 21

<210> 366

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 366

gacaccaaac ccaccaacac c 21

<210> 367

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 367

aacagagaca ccatcaacaa c 21

<210> 368

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 368

cccagaaccc tcagcgacgg c 21

<210> 369

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 369

accaaagacg tcaccaccag c 21

<210> 370

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 370

ctgggtaatc ctacgccttc t 21

<210> 371

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 371

tatcaggcga tgtataggga t 21

<210> 372

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 372

agcggcgtcc aagaattcga c 21

<210> 373

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 373

tctaatcatc tgtcgacggt t 21

<210> 374

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 374

cacgacgaaa gagccaacat g 21

<210> 375

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 375

acgaatagta ctcggtcgcc t 21

<210> 376

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 376

ccgacggata agtcttatcc g 21

<210> 377

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 377

atgaccgaac aaagaaccgc c 21

<210> 378

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 378

accaacgcca cccacagcaa a 21

<210> 379

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 379

aatcggggta cttttagtgc g 21

<210> 380

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 380

aacaccacca aattcaacac c 21

<210> 381

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 381

gggattccgc ctttgactaa g 21

<210> 382

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 382

accgccaaca gcacccaaag a 21

<210> 383

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 383

actcagggtc cgggtccgaa g 21

<210> 384

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 384

atgaatacta cgcggaatta t 21

<210> 385

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 385

ctcagagaag gcaccttcat g 21

<210> 386

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 386

aacatcagca gcaccgacag a 21

<210> 387

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 387

tcggttagtc ggccgtttca g 21

<210> 388

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 388

cctatgtctg ctaatgggaa g 21

<210> 389

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 389

gaagtcagag gcaacacctt c 21

<210> 390

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 390

tcgcagaagg gtctgtctgt g 21

<210> 391

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 391

attgctgaga atctgagtgc t 21

<210> 392

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 392

ttcagcaaca tgaacctcaa a 21

<210> 393

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 393

cctcgtgagc ggacttatac t 21

<210> 394

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 394

tggtcgcata atccggattc t 21

<210> 395

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 395

ggtcttcaga ctctgattac g 21

<210> 396

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 396

agcaacagaa ccaaagacat c 21

<210> 397

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 397

gtgactgaga cgattcttaa g 21

<210> 398

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 398

tatgttacgc gtagtggtct g 21

<210> 399

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 399

atgaacgcca acatcctcgt c 21

<210> 400

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 400

actacgaatc gggtgggtac g 21

<210> 401

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 401

gtcctcaaaa gccacctcca a 21

<210> 402

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 402

agcgacggcc tcagaaccca a 21

<210> 403

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 403

ctcaacagcg tcaaacccaa c 21

<210> 404

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 404

agccaagcca tcgcccccaa a 21

<210> 405

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 405

tctaataatg ttcgtgctcc g 21

<210> 406

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 406

atcagccacc tcagcgaaag c 21

<210> 407

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 407

ctcctccccg gcatgagatt c 21

<210> 408

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 408

cttcttgcgt cggctacgaa g 21

<210> 409

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 409

aaccacaacg gcatggtcag c 21

<210> 410

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 410

cacagcggcg aactcaacaa c 21

<210> 411

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 411

ctttctgcgc ctaaggatac t 21

<210> 412

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 412

attgggactc atgtggggac g 21

<210> 413

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 413

gccgtcgccc tcgccagcgc c 21

<210> 414

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 414

attactcttc agtctaatgc t 21

<210> 415

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 415

gtcgaccaca gcctcaccag c 21

<210> 416

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 416

ggcaacgaag ccaccagcct c 21

<210> 417

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 417

cccgtcagca gcaccaccct c 21

<210> 418

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 418

ccctaccaaa ccagcagcgc c 21

<210> 419

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 419

accagcgtcg tcagcgcctt c 21

<210> 420

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 420

aacggcgtcc ccgacaacaa c 21

<210> 421

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 421

agcacccaaa ccatcggctt c 21

<210> 422

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 422

attcggagtt ctgatcttgc g 21

<210> 423

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 423

aacacccaaa gcgccaaata c 21

<210> 424

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 424

agtcttgagt cgtctaggca g 21

<210> 425

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 425

ctcaacctcg ccagcggcag a 21

<210> 426

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 426

atgcaggagc gtcgggagta t 21

<210> 427

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 427

tggctcctca aagacggcta c 21

<210> 428

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 428

ggcagatacc aaaccaccag c 21

<210> 429

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 429

aatacgacga agtttccgtt t 21

<210> 430

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 430

atgagcaacg gcatcagcag a 21

<210> 431

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 431

ccgattcggg atccggagaa g 21

<210> 432

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 432

agtacgctga gtccgcatgt t 21

<210> 433

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 433

ttcatgccca tcagcagcgc c 21

<210> 434

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 434

agaagcgaca cccaaagcag c 21

<210> 435

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 435

Thr Leu Gln Ile Pro Phe Lys

1 5

<210> 436

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 436

Thr Ala Leu Lys Pro Phe Leu

1 5

<210> 437

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 437

Thr Thr Leu Lys Pro Phe Leu

1 5

<210> 438

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 438

Ser Ile Glu Arg Pro Phe Lys

1 5

<210> 439

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 439

Thr Gln Asn Arg Pro Phe Leu

1 5

<210> 440

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 440

Thr Met Gln Lys Pro Phe Ile

1 5

<210> 441

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 441

Thr Ser Thr Arg Pro Phe Leu

1 5

<210> 442

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 442

Gly Thr Phe Val Pro Pro Thr

1 5

<210> 443

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 443

Trp Ser Thr Asn Ala Gly Tyr

1 5

<210> 444

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 444

Thr Leu Glu Arg Pro Phe Thr

1 5

<210> 445

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 445

Thr Ala Ala Lys Pro Phe Leu

1 5

<210> 446

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 446

Ile Arg Ile Gly Tyr Ser Gln

1 5

<210> 447

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 447

Glu Arg Val Gly Phe Ala Gln

1 5

<210> 448

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 448

Ala Asp Leu Leu Asn Tyr Arg

1 5

<210> 449

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 449

Leu Val Ala Gly Phe Ser Gln

1 5

<210> 450

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 450

Ser Ser Leu Lys Pro Phe Leu

1 5

<210> 451

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 451

Thr His Ser Arg Pro Phe Ile

1 5

<210> 452

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 452

Pro Phe Pro Gly Tyr Ser Ala

1 5

<210> 453

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 453

Ile Ile Val Gly Tyr Ser Gln

1 5

<210> 454

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 454

Arg Tyr Gln Gly Asp Ser Val

1 5

<210> 455

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 455

Arg Tyr Ala Gly Asp Ser Ile

1 5

<210> 456

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 456

Lys Thr Ile Gly Glu His Trp

1 5

<210> 457

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 457

Trp Met Thr His Gly Ser Ala

1 5

<210> 458

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 458

Ala Ala Ser Arg Pro Phe Leu

1 5

<210> 459

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 459

Thr Thr Ser Arg Pro Phe Leu

1 5

<210> 460

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 460

Ala Arg Val Gly Leu Ala Gln

1 5

<210> 461

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 461

Gly Thr Ser Pro Asn Leu Ala

1 5

<210> 462

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 462

Val Arg Thr Gly Tyr Ser Ser

1 5

<210> 463

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 463

Ile Arg Val Gly Tyr Ser Ser

1 5

<210> 464

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 464

Thr Thr Leu Arg Pro Phe Ile

1 5

<210> 465

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 465

Gly Ile Thr Ser Leu Phe Lys

1 5

<210> 466

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 466

Thr Thr Gln Thr Pro Phe Arg

1 5

<210> 467

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 467

Thr Val Ser Arg Pro Phe Leu

1 5

<210> 468

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 468

Tyr Gly Thr Asn Pro Phe Arg

1 5

<210> 469

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 469

Pro Thr Met Val Asp Ser Ser

1 5

<210> 470

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 470

Asn Lys Ala Ser Ser Gln Asn

1 5

<210> 471

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 471

Thr Phe Arg Ser Ser Asn Asp

1 5

<210> 472

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 472

Leu Pro Asp Arg Tyr Pro Asn

1 5

<210> 473

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 473

Gln Asn Val Thr Lys Gly Val

1 5

<210> 474

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 474

Ala Gln Ser Pro Ile Leu Arg

1 5

<210> 475

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 475

Val Ala Thr Gly Tyr Ser Ser

1 5

<210> 476

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 476

Leu Asn Ser Asn Arg Pro Asn

1 5

<210> 477

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 477

Thr Ile Arg Asn Asn Thr Ile

1 5

<210> 478

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 478

Asp Leu Ser Arg Ile Phe Lys

1 5

<210> 479

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 479

Leu Ser Asn Ser Ala Ser Gln

1 5

<210> 480

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 480

Leu Glu Asn Met Val Met Ser

1 5

<210> 481

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 481

Leu Thr Gln Gln Thr Asp Val

1 5

<210> 482

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 482

Ala Gly Leu Ala His Ala Thr

1 5

<210> 483

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 483

Asn Ala His Thr Ala Leu Asp

1 5

<210> 484

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 484

Trp Pro Ile Leu Arg Ala Asp

1 5

<210> 485

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 485

Ala Leu Ala Gly Leu Ser Leu

1 5

<210> 486

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 486

Arg Ile Asp Met Pro Phe Lys

1 5

<210> 487

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 487

Thr Met Ser Leu Ser Ser Ser

1 5

<210> 488

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 488

Gln Asn Val Ala Lys Asn Leu

1 5

<210> 489

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 489

Phe Asp Asn Pro Asn Asn Val

1 5

<210> 490

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 490

Val Leu Met Arg Glu Ser Leu

1 5

<210> 491

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 491

His His Asp Thr Gly Ser Ala

1 5

<210> 492

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 492

Asp Ala Pro Asn Ser Val Asp

1 5

<210> 493

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 493

Thr Ala Ser Arg Asp Ala Lys

1 5

<210> 494

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 494

Thr Asn Tyr Thr Lys Gln Ile

1 5

<210> 495

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 495

Pro His Asn Ala Ser Val Leu

1 5

<210> 496

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 496

Thr Asn Asn Thr Arg Asn Ile

1 5

<210> 497

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 497

Met Val Pro Asn His Ser Gly

1 5

<210> 498

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 498

Pro Val Pro Gln Ser Glu His

1 5

<210> 499

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 499

Leu Tyr His Gly Gly Ser Thr

1 5

<210> 500

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 500

Met Ile His Thr Arg Glu Thr

1 5

<210> 501

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 501

Thr Asn Asn Thr Lys Pro Leu

1 5

<210> 502

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 502

Leu Asn Thr Thr Arg Asn Thr

1 5

<210> 503

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 503

Ala Leu His Asn Ser Gln Asn

1 5

<210> 504

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 504

Val Asn Ser Thr Arg Asn Val

1 5

<210> 505

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 505

Gly Val Gly Val Val Thr Lys

1 5

<210> 506

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 506

Val Leu Ser Lys Gln Leu Ala

1 5

<210> 507

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 507

Ser Lys Ser Leu Gln Pro Leu

1 5

<210> 508

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 508

Ser Asn Ser Thr Arg Leu Val

1 5

<210> 509

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 509

Leu Asn Gln Thr Lys Gln Ile

1 5

<210> 510

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 510

Asn Asn Ser Val Arg Gln Leu

1 5

<210> 511

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 511

Met Ser Gly Tyr Ser His Thr

1 5

<210> 512

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 512

Val Lys Val Pro Ile Ile Thr

1 5

<210> 513

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 513

Gly Asn Asn Thr Arg Ala Val

1 5

<210> 514

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 514

Gln Asn Gln Ile Lys Asn Ile

1 5

<210> 515

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 515

Thr Asn Met Thr Lys Pro Leu

1 5

<210> 516

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 516

Asn Asn Ser Thr Arg Leu Ser

1 5

<210> 517

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 517

Ser Met Leu Thr Ser Ile Val

1 5

<210> 518

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 518

Leu Asn Ala Thr Ala Ser Arg

1 5

<210> 519

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 519

Asn Thr Gly Val Gln Val Arg

1 5

<210> 520

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 520

Thr Asn Thr Val Arg Pro Ile

1 5

<210> 521

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 521

Gln Ser Thr Pro Gly Ala Thr

1 5

<210> 522

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 522

Gly His Ser Glu Asn Ser Arg

1 5

<210> 523

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 523

Leu Pro Thr Gln Thr Leu Arg

1 5

<210> 524

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 524

Lys Asn Ala Pro Met Pro Asp

1 5

<210> 525

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 525

Ser Asn Ser Thr Lys Pro Thr

1 5

<210> 526

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 526

Pro Ile Ile Thr Met Pro Ala

1 5

<210> 527

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 527

Pro Leu Lys Gly Ile Gly Ser

1 5

<210> 528

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 528

Val Leu Ser Val Asn His Leu

1 5

<210> 529

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 529

Ser Val Ala Ala Val His Met

1 5

<210> 530

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 530

Ser Asn Ser Ile Arg Leu Val

1 5

<210> 531

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 531

His Asn Asp Thr Arg Pro Leu

1 5

<210> 532

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 532

Pro Pro Val Arg Ser Thr Ala

1 5

<210> 533

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 533

Met Asn Thr Val Arg Asn Leu

1 5

<210> 534

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 534

Leu Thr Asp Gly His Arg Ile

1 5

<210> 535

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 535

Thr Asn Ala Val Lys Leu Thr

1 5

<210> 536

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 536

Arg Val Asp Ala Val Leu Ser

1 5

<210> 537

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 537

Thr Asn Ala Val Lys Ser Thr

1 5

<210> 538

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 538

Met Leu Asn Thr Thr Ala Arg

1 5

<210> 539

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 539

Gly Asn Asn Thr Arg Pro Thr

1 5

<210> 540

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 540

Gln Ser Gly Gly Ser Ala Leu

1 5

<210> 541

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 541

Val Ile Ala Leu Ser Thr Met

1 5

<210> 542

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 542

Leu Asn Thr Ile Arg Asn Val

1 5

<210> 543

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 543

Ser Asn Ala Thr Arg Ser Val

1 5

<210> 544

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 544

Gly Asn Gly Thr Lys Phe Ile

1 5

<210> 545

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 545

Ser Asn Thr Ile Arg Pro Val

1 5

<210> 546

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 546

Ser Asn Ser Thr Arg Ala Ile

1 5

<210> 547

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 547

Phe His Leu Thr Asp Arg Gly

1 5

<210> 548

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 548

Pro Ile Arg Ser Asp Thr Val

1 5

<210> 549

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 549

Ala Asn Gln Ile His Asn Thr

1 5

<210> 550

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 550

Ser Asn Thr Val Arg Asn Thr

1 5

<210> 551

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 551

Thr Ser Leu Gly Tyr Ser Ser

1 5

<210> 552

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 552

Ile Ser Gly Val Gln Thr Arg

1 5

<210> 553

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 553

Ser Asn Ala Val Arg Gln Thr

1 5

<210> 554

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 554

Ser Leu Ser Glu Leu Arg Ile

1 5

<210> 555

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 555

Ser Thr Glu Lys Arg Asp Glu

1 5

<210> 556

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 556

Asn Leu Val Gly Thr Leu Ile

1 5

<210> 557

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 557

Gly Asn Asn Ile Arg Leu Thr

1 5

<210> 558

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 558

Ala Val Pro Thr Gly Leu Arg

1 5

<210> 559

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 559

Gly Asp Asn Ser Leu Thr Arg

1 5

<210> 560

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 560

His Ala Asp Asn Arg Leu Lys

1 5

<210> 561

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 561

Ser Asn Ala Thr Arg Asn Phe

1 5

<210> 562

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 562

Gly Asn Thr Thr Arg Gly Leu

1 5

<210> 563

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 563

Leu Asn Leu Thr Ala Thr Asn

1 5

<210> 564

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 564

Ser Gly Val Ser Thr Thr Asp

1 5

<210> 565

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 565

Tyr Ala Lys Thr Leu Ala Met

1 5

<210> 566

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 566

Met Asn His Thr Lys Pro Thr

1 5

<210> 567

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 567

Ala Asn Ala Thr Arg Asn Ser

1 5

<210> 568

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 568

Gln Asn Gln Thr Lys Ile Thr

1 5

<210> 569

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 569

Ser Asn Ala Ile Lys Ala Thr

1 5

<210> 570

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 570

Tyr Pro Asp Asn Tyr Gly Lys

1 5

<210> 571

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 571

Gly Asn Thr Thr Ile Arg Ser

1 5

<210> 572

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 572

Leu Gly Leu Thr Gly Ala Val

1 5

<210> 573

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 573

Ala Asn Ser Thr Arg Ile Leu

1 5

<210> 574

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 574

Asp Asn Ala Ile Arg Ala Gln

1 5

<210> 575

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 575

Thr Asn Tyr Thr Lys Leu Met

1 5

<210> 576

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 576

His Asn Ser Pro Ser Ser Tyr

1 5

<210> 577

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 577

Glu Asn Met Val Arg Ser Val

1 5

<210> 578

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 578

Thr Asn Asn Ile Lys Ser Tyr

1 5

<210> 579

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 579

Thr Asn Ser Thr Arg Pro Val

1 5

<210> 580

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 580

His Thr Ala Pro Pro His Pro

1 5

<210> 581

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 581

Ala Leu Ser Gln Asn Thr Ser

1 5

<210> 582

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 582

Pro Asn Val Thr Lys Asn Ala

1 5

<210> 583

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 583

Leu Asp Thr Leu Thr Gly Tyr

1 5

<210> 584

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 584

Pro Asn Ser Val Arg Ser Val

1 5

<210> 585

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 585

Thr Ser Ser His Leu Pro His

1 5

<210> 586

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 586

Val Leu His Gly Gly Asn Asp

1 5

<210> 587

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 587

Ser Asn Tyr Val Lys Ser Ala

1 5

<210> 588

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 588

Asp Asn Asn Ser Thr Arg Trp

1 5

<210> 589

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 589

Thr Val Met Lys Gly Phe Thr

1 5

<210> 590

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 590

Ser His Thr Leu Ser Thr Leu

1 5

<210> 591

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 591

Pro Gly Pro Gln Gln Ala Lys

1 5

<210> 592

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 592

Thr Phe Gly Thr Ser Lys Leu

1 5

<210> 593

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 593

Ser Asn Ala Val Thr Asn Arg

1 5

<210> 594

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 594

Leu Ser Met Ser Thr Val Pro

1 5

<210> 595

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 595

Arg Arg Tyr Asp Gly Arg Glu

1 5

<210> 596

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 596

Thr Asn Ser Thr Lys Asn Ile

1 5

<210> 597

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 597

Ile Asn Ala Gln Trp Ser Ala

1 5

<210> 598

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 598

Ala Gln Thr Ser Asn Asp Pro

1 5

<210> 599

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 599

Thr Asn Glu Thr Arg Met Val

1 5

<210> 600

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 600

Ala Asn Ala Thr Arg Gly Val

1 5

<210> 601

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 601

Ala Asp Val Asn Ala Ser Gly

1 5

<210> 602

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 602

Leu Ser Glu Arg Asn Tyr Val

1 5

<210> 603

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 603

Ser Gly Glu Leu Ala Arg Ala

1 5

<210> 604

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 604

Gly Asn Thr Ala Lys Asn Ile

1 5

<210> 605

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 605

Asp Asn Ala Val Arg Pro Leu

1 5

<210> 606

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 606

Met Met Leu Ser Gly Leu Asn

1 5

<210> 607

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 607

Pro Asn Thr Ile Arg Asn Val

1 5

<210> 608

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 608

Glu Asn Leu Thr Arg Gly Val

1 5

<210> 609

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 609

Phe Ser Ala Arg Ser Thr Gly

1 5

<210> 610

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 610

Glu Asn Ala Thr Arg Thr Tyr

1 5

<210> 611

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 611

Gly Asn Ser Thr Arg Met Asn

1 5

<210> 612

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 612

Gly Asn Ser Thr Lys Ser Pro

1 5

<210> 613

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 613

Met Gln Thr Thr Leu His Leu

1 5

<210> 614

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 614

Asn Pro Thr Leu Ile Thr Leu

1 5

<210> 615

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 615

Leu Ile Ser Gly His Ala Gln

1 5

<210> 616

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 616

Phe Asn Gln Val Arg Ser Leu

1 5

<210> 617

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 617

Met Asn Ile Leu Arg Glu Val

1 5

<210> 618

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 618

Ser Ala Met Met Arg Gly Val

1 5

<210> 619

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 619

Pro Met Leu Ser Ser Pro Ser

1 5

<210> 620

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 620

Gln Asn Asn Thr Leu Arg Ser

1 5

<210> 621

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 621

Arg His Ser Asp Pro Val Glu

1 5

<210> 622

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 622

Val Asn Thr Thr Phe Ser Thr

1 5

<210> 623

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 623

Ile Asn Ser Thr Arg Gly Ile

1 5

<210> 624

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 624

Thr Asn Ala Val Arg Asp Leu

1 5

<210> 625

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 625

Ser Asn Ser Thr Arg Leu Ser

1 5

<210> 626

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 626

Thr Ser Ile Ala Gly Ser Phe

1 5

<210> 627

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 627

Leu Gly Ser Thr Tyr Pro Arg

1 5

<210> 628

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 628

Ala Asn Val Thr Thr Gln Arg

1 5

<210> 629

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 629

Ser Asn Ser Val Arg Leu Ser

1 5

<210> 630

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 630

Ala Thr Asn Glu Pro Asp Arg

1 5

<210> 631

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 631

Arg Met Asn Pro Glu Gln Ser

1 5

<210> 632

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 632

Ser Val Ser Gly Ser Ala Asn

1 5

<210> 633

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 633

Pro Ser Asn Ser Thr Thr Arg

1 5

<210> 634

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 634

Leu Phe His Gly Thr His Glu

1 5

<210> 635

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 635

Pro Gln Leu Gly Ser Thr Lys

1 5

<210> 636

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 636

Pro Ile Ser Ala Asn Arg Leu

1 5

<210> 637

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 637

Asn Ser Gly Asn Leu Ser Met

1 5

<210> 638

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 638

Lys Val Glu Ala Ile Gly Met

1 5

<210> 639

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 639

Lys Thr Leu Leu Asn Ser Val

1 5

<210> 640

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 640

Asn Ala Met Asp Leu Lys Val

1 5

<210> 641

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 641

Met Met Gly Asn Gly Ser Ser

1 5

<210> 642

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 642

Ser Asn Ser Thr Lys Ala Leu

1 5

<210> 643

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 643

Ser Asn Ser Thr Arg Gly Thr

1 5

<210> 644

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 644

Ser Leu Ser Ser Leu His Val

1 5

<210> 645

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 645

Thr Leu Ser Gly Ala Leu Thr

1 5

<210> 646

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 646

Pro Asn Thr Val Arg Asn Asn

1 5

<210> 647

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 647

Asn Asn Asn Val Lys Met Thr

1 5

<210> 648

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 648

Ser Val Ala Lys Pro Phe Met

1 5

<210> 649

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 649

Thr Gln Thr Thr Arg Leu Ser

1 5

<210> 650

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 650

Asn Asn Ala Thr Arg Gly Gly

1 5

<210> 651

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 651

Thr Asn Thr Thr Ala Arg Ile

1 5

<210> 652

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 652

Glu Asn Ser Ile Arg Thr Ile

1 5

<210> 653

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 653

Ile Arg Glu Thr Ser Gly Lys

1 5

<210> 654

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 654

Ser Ile Tyr Tyr His Thr Glu

1 5

<210> 655

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 655

Val Leu Asp Asn Ser Gly Gln

1 5

<210> 656

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 656

Ser His Asn Met Thr Ile Arg

1 5

<210> 657

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 657

Thr Ile Pro Ser Ala Gly Lys

1 5

<210> 658

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 658

Pro Arg His Thr Leu Ser Gln

1 5

<210> 659

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 659

Ser Leu Asn Val Gln Asp Val

1 5

<210> 660

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 660

Tyr Gln Ser Leu Ala Asn Pro

1 5

<210> 661

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 661

Ile Leu Asn Met Ser Thr Asp

1 5

<210> 662

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 662

Val Leu His Leu Gly His Ser

1 5

<210> 663

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 663

Gly Val Thr Gln Thr Pro Arg

1 5

<210> 664

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 664

Thr Asn Asp Thr Arg Arg Ile

1 5

<210> 665

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 665

Gln Thr Asp His Thr Ser Arg

1 5

<210> 666

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 666

Lys Asn Glu Ile Lys Asn Val

1 5

<210> 667

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 667

Trp Thr Gly Asn Glu Arg Leu

1 5

<210> 668

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 668

Gly Lys Ser Asp Ala Met Arg

1 5

<210> 669

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 669

Gly Asn Ala Thr Arg Thr Tyr

1 5

<210> 670

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 670

Ala Ser Asn Leu Gly Leu Pro

1 5

<210> 671

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 671

Ser Ser Leu Ser Gly Ser Pro

1 5

<210> 672

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 672

Ala Ala Val Asn Gln Gly Val

1 5

<210> 673

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 673

Asp Gln Asn Gln Pro Arg Glu

1 5

<210> 674

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 674

Leu Thr Gln Asp Lys Gln Ala

1 5

<210> 675

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 675

Phe Gly Ser Asn Glu His Asn

1 5

<210> 676

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 676

Leu Asn Gln Pro Asn Val Arg

1 5

<210> 677

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 677

Met Asn Thr Thr Arg Asn Leu

1 5

<210> 678

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 678

Thr Asn Ser Thr Arg Thr Ser

1 5

<210> 679

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 679

Phe Glu Leu Ser His Val Pro

1 5

<210> 680

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 680

Glu Gly Leu Gly Asn Ala Ala

1 5

<210> 681

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 681

Leu Thr Val Thr Leu Asn His

1 5

<210> 682

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 682

Phe Gly Asn Ala Ile Gln Ser

1 5

<210> 683

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 683

Pro Gly Gly Gly Leu Thr Pro

1 5

<210> 684

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 684

Pro Asn Met Thr Arg Ser Leu

1 5

<210> 685

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 685

Ser Gln Leu His Arg Leu Gln

1 5

<210> 686

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 686

Asn Asp Pro Val Leu Thr Val

1 5

<210> 687

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 687

Glu Asn Ser Val Arg Thr Thr

1 5

<210> 688

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 688

Asp Arg Val Thr Asn Pro Lys

1 5

<210> 689

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 689

Leu Asn Thr Gly Gln Met Arg

1 5

<210> 690

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 690

Ile Ser Pro Ser Gln Val Lys

1 5

<210> 691

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 691

Tyr Ser Ala Asp Lys Thr Thr

1 5

<210> 692

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 692

Ile Asp Ser Ala Gly Met Ala

1 5

<210> 693

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 693

Ser Asn Asn Ile Lys Leu Asn

1 5

<210> 694

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 694

Leu Glu Thr Gln Pro Arg Thr

1 5

<210> 695

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 695

Asn Leu His Ser Asn Val Leu

1 5

<210> 696

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 696

Met Val Lys Asp Thr Gln Leu

1 5

<210> 697

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 697

Leu Met His Leu Thr Asn Pro

1 5

<210> 698

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 698

Val Ala Ser Pro Asp Lys Arg

1 5

<210> 699

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 699

Val Val Ala Val Leu Thr Ser

1 5

<210> 700

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 700

Asn Ile Met Val Asn Val Pro

1 5

<210> 701

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 701

Pro Tyr Ser Gly Gln Arg Thr

1 5

<210> 702

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 702

Pro Leu Leu Lys Thr Asn Thr

1 5

<210> 703

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 703

Gly Asn Thr Thr Val Arg Gly

1 5

<210> 704

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 704

Thr Asn Lys Val Arg Asp Asp

1 5

<210> 705

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 705

Pro Ser Thr Ala Leu Leu Val

1 5

<210> 706

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 706

Ile Gln Ser Ile Thr Leu Lys

1 5

<210> 707

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 707

Pro Leu His Ala Asn Met Ser

1 5

<210> 708

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 708

Thr Ala His Ala Glu Ala Arg

1 5

<210> 709

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 709

Thr Asn Thr Asp Ser Tyr Arg

1 5

<210> 710

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 710

Thr His Val Ser Leu Asp Arg

1 5

<210> 711

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 711

Phe Ser Thr Lys Asp His Val

1 5

<210> 712

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 712

Asp Asn Thr Gln Thr Ala Pro

1 5

<210> 713

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 713

Ser Asn Arg Ile Ile Ser Gly

1 5

<210> 714

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 714

Thr Asn Ser Val Arg Asn Asn

1 5

<210> 715

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 715

Ser Asn Glu Val Arg Asn Met

1 5

<210> 716

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 716

Glu Leu Tyr Lys Pro Ser Arg

1 5

<210> 717

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 717

Trp Ile Thr Gly Gly Ala Ser

1 5

<210> 718

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 718

Asn Asn Ser Val Arg Pro Thr

1 5

<210> 719

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 719

His Thr Ala Val Leu Arg Thr

1 5

<210> 720

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 720

Asn Thr Leu Ser Leu Ala Pro

1 5

<210> 721

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 721

Pro Asn Ala Ser Val Asn Ser

1 5

<210> 722

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 722

Val Thr Gly Gly Asn Thr Tyr

1 5

<210> 723

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 723

Val Asn Glu Asn Leu Ile Glu

1 5

<210> 724

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 724

Val Leu Thr Thr His Ser Asn

1 5

<210> 725

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 725

His Thr Gln Leu Pro Leu Thr

1 5

<210> 726

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 726

Arg Gln Ser Leu Glu Ala Leu

1 5

<210> 727

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 727

Pro Asp Val Thr Glu Gly Arg

1 5

<210> 728

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 728

Pro Thr Asn Ile Met Leu Asp

1 5

<210> 729

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 729

Pro Asn Met Ser Ala Met Ile

1 5

<210> 730

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 730

Ile Met Asn Gly Gln Ala Leu

1 5

<210> 731

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 731

Asn Asn Asn Ser Thr Arg Phe

1 5

<210> 732

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 732

Ala Asn Val Thr Arg Ser Thr

1 5

<210> 733

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 733

Gln Asn Leu Gly Leu Asn Val

1 5

<210> 734

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 734

Gln Ala Gln Met Ser Ser Ala

1 5

<210> 735

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 735

Leu Thr Met Ala Thr Asn Val

1 5

<210> 736

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 736

Asp Arg Asp Ser Val Gln Asn

1 5

<210> 737

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 737

Val Asn Pro Thr Asn Asn Leu

1 5

<210> 738

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 738

Pro Ser Phe Thr Thr Met Ser

1 5

<210> 739

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 739

Arg Glu Thr Pro Ile Pro Lys

1 5

<210> 740

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 740

Ser Leu Asn Phe Thr Thr Ala

1 5

<210> 741

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 741

Gly Met Ser Gly Val Ala Gln

1 5

<210> 742

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 742

Lys Val Asp Ala Ala Gln Ser

1 5

<210> 743

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 743

His Ile Thr Thr Asn Val Ser

1 5

<210> 744

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 744

Glu Arg Glu Ser Ala Arg Leu

1 5

<210> 745

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 745

Asp Asn Arg Thr Gln Arg Thr

1 5

<210> 746

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 746

Ser Ala Pro Asn Val Thr Ile

1 5

<210> 747

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 747

Glu Asn Gly Thr Arg Asn Thr

1 5

<210> 748

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 748

Gly Thr Ala Val Phe Thr Ala

1 5

<210> 749

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 749

Ala Asn Asn Met Ser Gln Thr

1 5

<210> 750

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 750

Gly Asn His Thr Tyr Asn Leu

1 5

<210> 751

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 751

Leu Ser Pro Ser Asn Ser Asn

1 5

<210> 752

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 752

Met Gly Ala Asp His Arg Thr

1 5

<210> 753

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 753

Ser Asn Ser Thr Arg Gly Ser

1 5

<210> 754

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 754

Asn Thr Ser Gly Val Pro Lys

1 5

<210> 755

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 755

Ile Asn Thr Ala Val Val Ser

1 5

<210> 756

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 756

Met Gly Val Gln Ala Tyr Val

1 5

<210> 757

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 757

Gly Asn Phe Val Lys Pro Asn

1 5

<210> 758

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 758

Val Asn Ser Val Arg Met Ile

1 5

<210> 759

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 759

His Asp Ser Ala Asn Ser Arg

1 5

<210> 760

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 760

Leu Gly Val Arg Asp Asp Ser

1 5

<210> 761

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 761

Ser Asn Ala Val Arg Ala Asn

1 5

<210> 762

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 762

Pro Val Leu Ala Ala Thr Met

1 5

<210> 763

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 763

Asn Lys Pro Val Ser Gly Asn

1 5

<210> 764

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 764

Val Gly Leu Ala Ser His Thr

1 5

<210> 765

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 765

Gly Ser Asn Thr Asn Met Lys

1 5

<210> 766

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 766

Val Ala Thr Thr Val His Asn

1 5

<210> 767

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 767

Asn Thr Leu Asp Ser Arg Val

1 5

<210> 768

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 768

Arg Glu Ala Asn Leu Gln Ala

1 5

<210> 769

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 769

Val Asp Ala Leu Ser His Met

1 5

<210> 770

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 770

Leu Arg Leu Ala Gly Leu Ala

1 5

<210> 771

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 771

Ile Thr Val Thr Asn Tyr Ser

1 5

<210> 772

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 772

Trp Asp Ser Gly Ser Gly Glu

1 5

<210> 773

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 773

Phe Ala Ser Glu Thr Val Ala

1 5

<210> 774

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 774

Gln Asn Val Thr Gly Thr Arg

1 5

<210> 775

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 775

Leu Asn Gly Leu Asn Val Ser

1 5

<210> 776

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 776

Asn Met Leu Lys Gln Ser Glu

1 5

<210> 777

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 777

Phe Asn Glu Val Pro Lys Ala

1 5

<210> 778

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 778

Leu Gly Asp Ile Thr Gly Phe

1 5

<210> 779

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 779

Ile Ser Ala Ser His Ser Arg

1 5

<210> 780

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 780

Ser Gln Thr Gln Ile Ala Leu

1 5

<210> 781

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 781

Asn Met Ala Thr Gln Met Lys

1 5

<210> 782

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 782

Val Asn His Asn Ile Arg Leu

1 5

<210> 783

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 783

Asn Ala Leu Gln Val Pro Val

1 5

<210> 784

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 784

Asn Ser Thr Gly Ile Asp Thr

1 5

<210> 785

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 785

Val Val Ala Gly His Leu Asn

1 5

<210> 786

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 786

Arg Asn Asp Ala Ile Leu Asn

1 5

<210> 787

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 787

Asn Arg Val Asp Ser Arg Ala

1 5

<210> 788

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 788

Ser Thr His Ser Thr Tyr Val

1 5

<210> 789

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 789

Ser Gly His Gly Thr Leu Arg

1 5

<210> 790

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 790

Pro Asn Ser Thr Thr Leu Ser

1 5

<210> 791

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 791

Asp Thr Lys Pro Thr Asn Thr

1 5

<210> 792

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 792

Asn Arg Asp Thr Ile Asn Asn

1 5

<210> 793

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 793

Pro Arg Thr Leu Ser Asp Gly

1 5

<210> 794

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 794

Thr Lys Asp Val Thr Thr Ser

1 5

<210> 795

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 795

Leu Gly Asn Pro Thr Pro Ser

1 5

<210> 796

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 796

Tyr Gln Ala Met Tyr Arg Asp

1 5

<210> 797

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 797

Ser Gly Val Gln Glu Phe Asp

1 5

<210> 798

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 798

Ser Asn His Leu Ser Thr Val

1 5

<210> 799

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 799

His Asp Glu Arg Ala Asn Met

1 5

<210> 800

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 800

Thr Asn Ser Thr Arg Ser Pro

1 5

<210> 801

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 801

Pro Thr Asp Lys Ser Tyr Pro

1 5

<210> 802

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 802

Met Thr Glu Gln Arg Thr Ala

1 5

<210> 803

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 803

Thr Asn Ala Thr His Ser Lys

1 5

<210> 804

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 804

Asn Arg Gly Thr Phe Ser Ala

1 5

<210> 805

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 805

Asn Thr Thr Lys Phe Asn Thr

1 5

<210> 806

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 806

Gly Ile Pro Pro Leu Thr Lys

1 5

<210> 807

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 807

Thr Ala Asn Ser Thr Gln Arg

1 5

<210> 808

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 808

Thr Gln Gly Pro Gly Pro Lys

1 5

<210> 809

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 809

Met Asn Thr Thr Arg Asn Tyr

1 5

<210> 810

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 810

Leu Arg Glu Gly Thr Phe Met

1 5

<210> 811

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 811

Asn Ile Ser Ser Thr Asp Arg

1 5

<210> 812

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 812

Ser Val Ser Arg Pro Phe Gln

1 5

<210> 813

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 813

Pro Met Ser Ala Asn Gly Lys

1 5

<210> 814

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 814

Glu Val Arg Gly Asn Thr Phe

1 5

<210> 815

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 815

Ser Gln Lys Gly Leu Ser Val

1 5

<210> 816

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 816

Ile Ala Glu Asn Leu Ser Ala

1 5

<210> 817

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 817

Phe Ser Asn Met Asn Leu Lys

1 5

<210> 818

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 818

Pro Arg Glu Arg Thr Tyr Thr

1 5

<210> 819

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 819

Trp Ser His Asn Pro Asp Ser

1 5

<210> 820

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 820

Gly Leu Gln Thr Leu Ile Thr

1 5

<210> 821

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 821

Ser Asn Arg Thr Lys Asp Ile

1 5

<210> 822

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 822

Val Thr Glu Thr Ile Leu Lys

1 5

<210> 823

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 823

Tyr Val Thr Arg Ser Gly Leu

1 5

<210> 824

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 824

Met Asn Ala Asn Ile Leu Val

1 5

<210> 825

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 825

Thr Thr Asn Arg Val Gly Thr

1 5

<210> 826

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 826

Val Leu Lys Ser His Leu Gln

1 5

<210> 827

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 827

Ser Asp Gly Leu Arg Thr Gln

1 5

<210> 828

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 828

Leu Asn Ser Val Lys Pro Asn

1 5

<210> 829

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 829

Ser Gln Ala Ile Ala Pro Lys

1 5

<210> 830

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 830

Ser Asn Asn Val Arg Ala Pro

1 5

<210> 831

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 831

Ile Ser His Leu Ser Glu Ser

1 5

<210> 832

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 832

Leu Leu Pro Gly Met Arg Phe

1 5

<210> 833

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 833

Leu Leu Ala Ser Ala Thr Lys

1 5

<210> 834

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 834

Asn His Asn Gly Met Val Ser

1 5

<210> 835

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 835

His Ser Gly Glu Leu Asn Asn

1 5

<210> 836

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 836

Leu Ser Ala Pro Lys Asp Thr

1 5

<210> 837

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 837

Ile Gly Thr His Val Gly Thr

1 5

<210> 838

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 838

Ala Val Ala Leu Ala Ser Ala

1 5

<210> 839

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 839

Ile Thr Leu Gln Ser Asn Ala

1 5

<210> 840

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 840

Val Asp His Ser Leu Thr Ser

1 5

<210> 841

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 841

Gly Asn Glu Ala Thr Ser Leu

1 5

<210> 842

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 842

Pro Val Ser Ser Thr Thr Leu

1 5

<210> 843

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 843

Pro Tyr Gln Thr Ser Ser Ala

1 5

<210> 844

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 844

Thr Ser Val Val Ser Ala Phe

1 5

<210> 845

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 845

Asn Gly Val Pro Asp Asn Asn

1 5

<210> 846

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 846

Ser Thr Gln Thr Ile Gly Phe

1 5

<210> 847

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 847

Ile Arg Ser Ser Asp Leu Ala

1 5

<210> 848

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 848

Asn Thr Gln Ser Ala Lys Tyr

1 5

<210> 849

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 849

Ser Leu Glu Ser Ser Arg Gln

1 5

<210> 850

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 850

Leu Asn Leu Ala Ser Gly Arg

1 5

<210> 851

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 851

Met Gln Glu Arg Arg Glu Tyr

1 5

<210> 852

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 852

Trp Leu Leu Lys Asp Gly Tyr

1 5

<210> 853

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 853

Gly Arg Tyr Gln Thr Thr Ser

1 5

<210> 854

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 854

Asn Thr Thr Lys Phe Pro Phe

1 5

<210> 855

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 855

Met Ser Asn Gly Ile Ser Arg

1 5

<210> 856

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 856

Pro Ile Arg Asp Pro Glu Lys

1 5

<210> 857

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 857

Ser Thr Leu Ser Pro His Val

1 5

<210> 858

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 858

Phe Met Pro Ile Ser Ser Ala

1 5

<210> 859

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 859

Arg Ser Asp Thr Gln Ser Ser

1 5

<210> 860

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 860

gcccaaacca ccctcaaacc cttcagcaac ccc 33

<210> 861

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 861

gacggcacca ccctcaaacc cttcagcaac ccc 33

<210> 862

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 862

gacggcaccg ccctcaaacc cttcctcgcc caa 33

<210> 863

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 863

gatgggacga ctcttaagcc gtttctggca cag 33

<210> 864

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 864

Ala Gln Thr Thr Leu Lys Pro Phe Ser Asn Pro

1 5 10

<210> 865

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 865

Asp Gly Thr Thr Leu Lys Pro Phe Ser Asn Pro

1 5 10

<210> 866

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 866

Asp Gly Thr Ala Leu Lys Pro Phe Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 867

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 867

Asp Gly Thr Thr Leu Lys Pro Phe Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 868

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 868

gccgaataca acaccggcgt c 21

<210> 869

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 869

gctaatgcga tgggtgatca t 21

<210> 870

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 870

gaaagcatcc aacaactcag c 21

<210> 871

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 871

tttaaggtta gtattcagca g 21

<210> 872

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 872

tttcttctta cttcggatcc g 21

<210> 873

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 873

tttcagcagg atacttatct g 21

<210> 874

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 874

ttttctggta gtgctagggt t 21

<210> 875

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 875

ttcagcgtca ccagacaagc c 21

<210> 876

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 876

ggggctgctg gtaagagttt g 21

<210> 877

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 877

ggtcatattt cggcgcttgc g 21

<210> 878

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 878

gggctgaagg tgtctgggtc t 21

<210> 879

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 879

ggtcttcagt cgccgaggtc t 21

<210> 880

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 880

gggaggacgg tgcaggatag g 21

<210> 881

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 881

ggcaccaaaa cccacagcct c 21

<210> 882

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 882

ggcaccacca gaagccccac c 21

<210> 883

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 883

caccccagcc tcagacaaag c 21

<210> 884

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 884

cattctgcga agactattgc g 21

<210> 885

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 885

cacagcggcc ccaccagcag c 21

<210> 886

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 886

atcaacaaag acaacaacca a 21

<210> 887

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 887

atcaacaccg ccagctacaa a 21

<210> 888

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 888

aaagccatca gcaccgccaa c 21

<210> 889

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 889

aaagccaaca gccaaatcac c 21

<210> 890

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 890

aaagcctaca gcgtccaagt c 21

<210> 891

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 891

aaactcagca ccctccacca a 21

<210> 892

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 892

aagcgggcgc ctgctgattc t 21

<210> 893

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 893

aaaaccaaca acaccgtcct c 21

<210> 894

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 894

aaaacccaac tcggccaaat g 21

<210> 895

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 895

cttggttctg cgcttacgag g 21

<210> 896

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 896

ctcatcagca ccacccacag a 21

<210> 897

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 897

cttaaggttg cgtctggttt g 21

<210> 898

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 898

cttcttgcga ctgggcttaa g 21

<210> 899

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 899

cttccgggtg gtgcgaggtt g 21

<210> 900

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 900

cttaggggtt ctgctcaggt g 21

<210> 901

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 901

ttgtctgctc agcttccgcg g 21

<210> 902

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 902

ctttctactg cgttgactgt g 21

<210> 903

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 903

ctcaccagag tcggcaccgt c 21

<210> 904

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 904

atggccaaca ccagaagcgc c 21

<210> 905

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 905

atgatcagag gcaccagcag c 21

<210> 906

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 906

atgctcagcg gccaagccag a 21

<210> 907

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 907

atgagaggcc aaggcgtcca c 21

<210> 908

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 908

aacaacaacc aaaaagtcta c 21

<210> 909

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 909

aacaacagcg gccacatcag c 21

<210> 910

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 910

aacaccctca tcaacgtcag c 21

<210> 911

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 911

aatacttctg gtgtgcctaa g 21

<210> 912

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 912

aatgtgccga cttcgccgcg g 21

<210> 913

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 913

cccgccagaa tccccggcag c 21

<210> 914

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 914

cccctcagaa acatcagcgc c 21

<210> 915

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 915

ccgttgagtg ggggtgttcg t 21

<210> 916

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 916

cccaacagag ccgccaacaa c 21

<210> 917

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 917

ccgcgtcatg cgactcagtc g 21

<210> 918

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 918

ccgcggccgg tgtcgaatgg g 21

<210> 919

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 919

ccttctggtt ctgcgcggag t 21

<210> 920

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 920

cccagccacg ccagagccag c 21

<210> 921

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 921

cccgtcggca ccagaaccag c 21

<210> 922

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 922

agagacaccg tcagcagata c 21

<210> 923

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 923

agaatcagca ccctcggcct c 21

<210> 924

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 924

aggcttgata ggactggttt g 21

<210> 925

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 925

agactcacca acagcaacca a 21

<210> 926

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 926

cgtcagcatc agcttcctat g 21

<210> 927

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 927

agaaccgcca acgccctcgg c 21

<210> 928

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 928

cggacggatg tgcggacgaa t 21

<210> 929

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 929

cggactacgg ctaattcgct t 21

<210> 930

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 930

agcggcggca ccagagaagg c 21

<210> 931

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 931

agcatcagag cccccgtcag c 21

<210> 932

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 932

tcgatttctc ctcctcgtac g 21

<210> 933

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 933

tcgaaggtta cgcctcctct g 21

<210> 934

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 934

agcagcagac tcagcgtcgg c 21

<210> 935

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 935

agcaccagaa acgtcgtcgg c 21

<210> 936

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 936

tcggttcctc cgaataggaa t 21

<210> 937

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 937

acggctgcgc atgttagtta t 21

<210> 938

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 938

accagaagcg aagtcatgaa a 21

<210> 939

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 939

gtggcgggtc tgactgttca g 21

<210> 940

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 940

gttggttcta gtaatacgta t 21

<210> 941

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 941

gttaagactg atcgggttct g 21

<210> 942

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 942

gtcaacagcc acgaaagagc c 21

<210> 943

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 943

gtccaagtcg ccatgagagc c 21

<210> 944

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 944

gtcagcatca gcgtcatggg c 21

<210> 945

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 945

gtgacggggg ttcggattgg g 21

<210> 946

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 946

tggtctgatc ctagtgatct g 21

<210> 947

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 947

tacctcacca gcggcggcta c 21

<210> 948

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 948

taccccaca tgacccacga c 21

<210> 949

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 949

tatgttaata gtgctccgaa g 21

<210> 950

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 950

Ala Glu Tyr Asn Thr Gly Val

1 5

<210> 951

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 951

Ala Asn Ala Met Gly Asp His

1 5

<210> 952

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 952

Glu Ser Ile Gln Gln Leu Ser

1 5

<210> 953

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 953

Phe Lys Val Ser Ile Gln Gln

1 5

<210> 954

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 954

Phe Leu Leu Thr Ser Asp Pro

1 5

<210> 955

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 955

Phe Gln Gln Asp Thr Tyr Leu

1 5

<210> 956

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 956

Phe Ser Gly Ser Ala Arg Val

1 5

<210> 957

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 957

Phe Ser Val Thr Arg Gln Ala

1 5

<210> 958

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 958

Gly Ala Ala Gly Lys Ser Leu

1 5

<210> 959

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 959

Gly His Ile Ser Ala Leu Ala

1 5

<210> 960

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 960

Gly Leu Lys Val Ser Gly Ser

1 5

<210> 961

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 961

Gly Leu Gln Ser Pro Arg Ser

1 5

<210> 962

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 962

Gly Arg Thr Val Gln Asp Arg

1 5

<210> 963

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 963

Gly Thr Lys Thr His Ser Leu

1 5

<210> 964

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 964

Gly Thr Thr Arg Ser Pro Thr

1 5

<210> 965

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 965

His Pro Ser Leu Arg Gln Ser

1 5

<210> 966

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 966

His Ser Ala Lys Thr Ile Ala

1 5

<210> 967

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 967

His Ser Gly Pro Thr Ser Ser

1 5

<210> 968

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 968

Ile Asn Lys Asp Asn Asn Gln

1 5

<210> 969

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 969

Ile Asn Thr Ala Ser Tyr Lys

1 5

<210> 970

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 970

Lys Ala Ile Ser Thr Ala Asn

1 5

<210> 971

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 971

Lys Ala Asn Ser Gln Ile Thr

1 5

<210> 972

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 972

Lys Ala Tyr Ser Val Gln Val

1 5

<210> 973

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 973

Lys Leu Ser Thr Leu His Gln

1 5

<210> 974

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 974

Lys Arg Ala Pro Ala Asp Ser

1 5

<210> 975

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 975

Lys Thr Asn Asn Thr Val Leu

1 5

<210> 976

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 976

Lys Thr Gln Leu Gly Gln Met

1 5

<210> 977

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 977

Leu Gly Ser Ala Leu Thr Arg

1 5

<210> 978

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 978

Leu Ile Ser Thr Thr His Arg

1 5

<210> 979

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 979

Leu Lys Val Ala Ser Gly Leu

1 5

<210> 980

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 980

Leu Leu Ala Thr Gly Leu Lys

1 5

<210> 981

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 981

Leu Pro Gly Gly Ala Arg Leu

1 5

<210> 982

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 982

Leu Arg Gly Ser Ala Gln Val

1 5

<210> 983

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 983

Leu Ser Ala Gln Leu Pro Arg

1 5

<210> 984

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 984

Leu Ser Thr Ala Leu Thr Val

1 5

<210> 985

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 985

Leu Thr Arg Val Gly Thr Val

1 5

<210> 986

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 986

Met Ala Asn Thr Arg Ser Ala

1 5

<210> 987

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 987

Met Ile Arg Gly Thr Ser Ser

1 5

<210> 988

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 988

Met Leu Ser Gly Gln Ala Arg

1 5

<210> 989

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 989

Met Arg Gly Gln Gly Val His

1 5

<210> 990

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 990

Asn Asn Asn Gln Lys Val Tyr

1 5

<210> 991

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 991

Asn Asn Ser Gly His Ile Ser

1 5

<210> 992

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 992

Asn Thr Leu Ile Asn Val Ser

1 5

<210> 993

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 993

Asn Thr Ser Gly Val Pro Lys

1 5

<210> 994

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 994

Asn Val Pro Thr Ser Pro Arg

1 5

<210> 995

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 995

Pro Ala Arg Ile Pro Gly Ser

1 5

<210> 996

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 996

Pro Leu Arg Asn Ile Ser Ala

1 5

<210> 997

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 997

Pro Leu Ser Gly Gly Val Arg

1 5

<210> 998

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 998

Pro Asn Arg Ala Ala Asn Asn

1 5

<210> 999

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 999

Pro Arg His Ala Thr Gln Ser

1 5

<210> 1000

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1000

Pro Arg Pro Val Ser Asn Gly

1 5

<210> 1001

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1001

Pro Ser Gly Ser Ala Arg Ser

1 5

<210> 1002

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1002

Pro Ser His Ala Arg Ala Ser

1 5

<210> 1003

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1003

Pro Val Gly Thr Arg Thr Ser

1 5

<210> 1004

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1004

Arg Asp Thr Val Ser Arg Tyr

1 5

<210> 1005

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1005

Arg Ile Ser Thr Leu Gly Leu

1 5

<210> 1006

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1006

Arg Leu Asp Arg Thr Gly Leu

1 5

<210> 1007

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1007

Arg Leu Thr Asn Ser Asn Gln

1 5

<210> 1008

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1008

Arg Gln His Gln Leu Pro Met

1 5

<210> 1009

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1009

Arg Thr Ala Asn Ala Leu Gly

1 5

<210> 1010

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1010

Arg Thr Asp Val Arg Thr Asn

1 5

<210> 1011

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1011

Arg Thr Thr Ala Asn Ser Leu

1 5

<210> 1012

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1012

Ser Gly Gly Thr Arg Glu Gly

1 5

<210> 1013

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1013

Ser Ile Arg Ala Pro Val Ser

1 5

<210> 1014

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1014

Ser Ile Ser Pro Pro Arg Thr

1 5

<210> 1015

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1015

Ser Lys Val Thr Pro Pro Leu

1 5

<210> 1016

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1016

Ser Ser Arg Leu Ser Val Gly

1 5

<210> 1017

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1017

Ser Thr Arg Asn Val Val Gly

1 5

<210> 1018

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1018

Ser Val Pro Pro Asn Arg Asn

1 5

<210> 1019

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1019

Thr Ala Ala His Val Ser Tyr

1 5

<210> 1020

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1020

Thr Arg Ser Glu Val Met Lys

1 5

<210> 1021

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1021

Val Ala Gly Leu Thr Val Gln

1 5

<210> 1022

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1022

Val Gly Ser Ser Asn Thr Tyr

1 5

<210> 1023

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1023

Val Lys Thr Asp Arg Val Leu

1 5

<210> 1024

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1024

Val Asn Ser His Glu Arg Ala

1 5

<210> 1025

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1025

Val Gln Val Ala Met Arg Ala

1 5

<210> 1026

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1026

Val Ser Ile Ser Val Met Gly

1 5

<210> 1027

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1027

Val Thr Gly Val Arg Ile Gly

1 5

<210> 1028

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1028

Trp Ser Asp Pro Ser Asp Leu

1 5

<210> 1029

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1029

Tyr Leu Thr Ser Gly Gly Tyr

1 5

<210> 1030

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1030

Tyr Pro His Met Thr His Asp

1 5

<210> 1031

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1031

Tyr Val Asn Ser Ala Pro Lys

1 5

<210> 1032

<211> 58

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1032

ggagtcctat ggacaagtgg ccacaaacca ccagagtgcc caaaccgccc tcaaaccc 58

<210> 1033

<211> 58

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1033

ggagtcctat ggacaagtgg ccacaaacca ccagagtgcc caaaccaccc tcaaaccc 58

<210> 1034

<211> 58

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1034

ggagtcctat ggacaagtgg ccacaaacca ccagagtgcc caaacgttgc agattcct 58

<210> 1035

<211> 58

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1035

ggagtcctat ggacaagtgg ccacaaacca ccagagtgcc caaaccctcc aactcccc 58

<210> 1036

<211> 58

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1036

ggagtcctat ggacaagtgg ccacaaacca ccagagtgcc caaactttgc agcagccg 58

<210> 1037

<211> 58

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1037

ggagtcctat ggacaagtgg ccacaaacca ccagagtgcc caaagcatcg aaagaccc 58

<210> 1038

<211> 58

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1038

ggagtcctat ggacaagtgg ccacaaacca ccagagtgcc caaaccatgc aaaaaccc 58

<210> 1039

<211> 58

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1039

ggagtcctat ggacaagtgg ccacaaacca ccagagtgcc caaaggtatc agggtgat 58

<210> 1040

<211> 58

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1040

ggagtcctat ggacaagtgg ccacaaacca ccagagtgcc caatggtcga caaacgct 58

<210> 1041

<211> 58

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1041

ggagtcctat ggacaagtgg ccacaaacca ccagagtgcc caagagcgtg taggtttc 58

<210> 1042

<211> 58

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1042

ggagtcctat ggacaagtgg ccacaaacca ccagagtgcg cagaccctag ctgtccct 58

<210> 1043

<211> 58

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1043

ggagtcctat ggacaagtgg ccacaaacca ccagagtgcc caagccagac aaatggac 58

<210> 1044

<211> 58

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1044

ggagtcctat ggacaagtgg ccacaaacca ccagagtgcc caaaccaaca aagtcggc 58

<210> 1045

<211> 58

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1045

ggagtcctat ggacaagtgg ccacaaacca ccagagtgcc caacagaacg taacgaag 58

<210> 1046

<211> 58

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1046

ggagtcctat ggacaagtgg ccacaaacca ccagagtgcc caactcaacg ctatcaag 58

<210> 1047

<211> 64

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1047

ttccttggtt ttgaacccaa ccggtctgcg cctgtgcgag gaagggtttg agggcggttt 60

gggc 64

<210> 1048

<211> 64

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1048

ttccttggtt ttgaacccaa ccggtctgcg cctgtgcgag gaagggtttg agggtggttt 60

gggc 64

<210> 1049

<211> 64

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1049

ttccttggtt ttgaacccaa ccggtctgcg cctgtgcctt aaaaggaatc tgcaacgttt 60

gggc 64

<210> 1050

<211> 64

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1050

ttccttggtt ttgaacccaa ccggtctgcg cttgggcttt gaaggggagt tggagggttt 60

gggc 64

<210> 1051

<211> 64

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1051

ttccttggtt ttgaacccaa ccggtctgcg cctgtgcctt aaacggctgc tgcaaagttt 60

gggc 64

<210> 1052

<211> 64

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1052

ttccttggtt ttgaacccaa ccggtctgcg cctgtgcttt gaagggtctt tcgatgcttt 60

gggc 64

<210> 1053

<211> 64

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1053

ttccttggtt ttgaacccaa ccggtctgcg cctgtgcgat gaagggtttt tgcatggttt 60

gggc 64

<210> 1054

<211> 64

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1054

ttccttggtt ttgaacccaa ccggtctgcg cctgtgcaac agaatcaccc tgataccttt 60

gggc 64

<210> 1055

<211> 64

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1055

ttccttggtt ttgaacccaa ccggtctgcg cctgtgcgta accagcgttt gtcgaccatt 60

gggc 64

<210> 1056

<211> 64

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1056

ttccttggtt ttgaacccaa ccggtctgcg cctgtgcctg tgcgaaacct acacgctctt 60

gggc 64

<210> 1057

<211> 64

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1057

ttccttggtt ttgaacccaa ccggtctgcg cagggttcga aaaagggaca gctagggtct 60

gcgc 64

<210> 1058

<211> 64

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1058

ttccttggtt ttgaacccaa ccggtctgcg cctgtgcgct gaggtccatt tgtctggctt 60

gggc 64

<210> 1059

<211> 64

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1059

ttccttggtt ttgaacccaa ccggtctgcg cctgtgcgat gttgccgact ttgttggttt 60

gggc 64

<210> 1060

<211> 64

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1060

ttccttggtt ttgaacccaa ccggtctgcg cctgtgccac acccttcgtt acgttctgtt 60

gggc 64

<210> 1061

<211> 64

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1061

ttccttggtt ttgaacccaa ccggtctgcg cctgtgcgat gttcttgata gcgttgagtt 60

gggc 64

<210> 1062

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1062

Ala Gln Thr Leu Gln Leu Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 1063

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1063

Ala Gln Thr Leu Gln Gln Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 1064

<211

> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1064

Ala Gln Thr Leu Ala Val Pro Phe Ser Asn Pro

1 5 10

<210> 1065

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1065

Ala Gln Ala Arg Gln Met Asp Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 1066

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1066

Ala Gln Thr Asn Lys Val Gly Asn Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 1067

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1067

Ala Gln Leu Asn Ala Ile Lys Asn Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 1068

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1068

gcccaaaccc tccaactccc cttcaaagcc caa 33

<210> 1069

<211

> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1069

gcccaaactt tgcagcagcc gtttaaggca cag 33

<210> 1070

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1070

gcgcagaccc tagctgtccc tttttcgaac cct 33

<210> 1071

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1071

gcccaagcca gacaaatgga cctcagcgca cag 33

<210> 1072

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1072

gcccaaacca acaaagtcgg caacatcgca cag 33

<210> 1073

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1073

gcccaactca acgctatcaa gaacatcgca cag 33

<210> 1074

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1074

gcccaaacgt tgcagattcc ttttaaggca cag 33

<210> 1075

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1075

gcccaaaccg ccctcaaacc cttcctcgca cag 33

<210> 1076

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1076

gcccaaacca ccctcaaacc cttcctcgca cag 33

<210> 1077

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1077

gcccaaagca tcgaaagacc cttcaaagca cag 33

<210> 1078

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1078

gcccaaaccc aaaacagacc cttcctcgca cag 33

<210> 1079

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1079

gcccaaacca tgcaaaaacc cttcatcgca cag 33

<210> 1080

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1080

gcccaaacta gtacgcggcc gtttttggca cag 33

<210> 1081

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1081

gcccaaggca ccttcgtccc ccccaccgca cag 33

<210> 1082

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1082

gcccaatggt cgactaatgc gggttatgca cag 33

<210> 1083

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1083

gcccaaaccc tcgaaagacc cttcaccgca cag 33

<210> 1084

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1084

gcccaaactg ctgctaagcc gtttctggca cag 33

<210> 1085

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1085

gcccaaatta ggattggtta ttcgcaggca cag 33

<210> 1086

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1086

gcccaagagc gtgtgggttt tgctcaggca cag 33

<210> 1087

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1087

gcccaagccg acctcctcaa ctacagagca cag 33

<210> 1088

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1088

gcccaactcg tcgccggctt cagccaagca cag 33

<210> 1089

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1089

gcccaatcgt ctctgaagcc ttttctggca cag 33

<210> 1090

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1090

gcccaaacgc attctaggcc gtttattgca cag 33

<210> 1091

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1091

gcccaacctt ttcctggtta ttctgcggca cag 33

<210> 1092

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1092

gcccaaatta ttgttgggta tagtcaggca cag 33

<210> 1093

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1093

gcccaaaggt atcagggtga ttctgttgca cag 33

<210> 1094

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1094

gcccaaaggt atgctgggga ttctattgca cag 33

<210> 1095

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1095

gcccaaaaga cgattgggga gcattgggca cag 33

<210> 1096

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1096

gcccaatgga tgacgcatgg ttctgcggca cag 33

<210> 1097

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1097

gcccaagctg cttcgaggcc gtttcttgca cag 33

<210> 1098

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1098

gcccaaacta cttctaggcc gtttcttgca cag 33

<210> 1099

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1099

gcccaagctc gtgtgggttt ggctcaggca cag 33

<210> 1100

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1100

gcccaaggga ctagtccgaa tcttgcggca cag 33

<210> 1101

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1101

gcccaagtgc gtacggggta tagttctgca cag 33

<210> 1102

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1102

gcccaaattc gggtggggta tagttctgca cag 33

<210> 1103

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1103

gcccaaacta ctttgcgtcc gtttattgca cag 33

<210> 1104

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1104

gcccaaggta ttacgtctct gtttaaggca cag 33

<210> 1105

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1105

gcccaaacca cccaaacccc cttcagagca cag 33

<210> 1106

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1106

gcccaaactg tgtcgaggcc gtttttggca cag 33

<210> 1107

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1107

gcccaatatg ggacgaatcc gtttcgtgca cag 33

<210> 1108

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1108

gcccaaccca ccatggtcga cagcagcgca cag 33

<210> 1109

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1109

gcccaaaata aggctagttc tcagaatgca cag 33

<210> 1110

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1110

gcccaaactt ttcgtagttc gaatgatgca cag 33

<210> 1111

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1111

gcccaactgc cggatcgtta tcctaatgca cag 33

<210> 1112

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1112

gcccaacaga atgttacgaa gggtgttgca cag 33

<210> 1113

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1113

gcccaagctc agtctccgat tcttcgggca cag 33

<210> 1114

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1114

gcccaagtgg ctactggtta ttcttcggca cag 33

<210> 1115

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1115

gcccaattga attcgaatcg gcctaatgca cag 33

<210> 1116

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1116

gcccaaacga ttcgtaataa tacgattgca cag 33

<210> 1117

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1117

gcccaagatc ttagtcgtat ttttaaggca cag 33

<210> 1118

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1118

gcccaactca gcaacagcgc cagccaagca cag 33

<210> 1119

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1119

gcccaactcg aaaacatggt catgagcgca cag 33

<210> 1120

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1120

gcccaattga ctcagcagac ggatgttgca cag 33

<210> 1121

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1121

gcccaagccg gcctcgccca cgccaccgca cag 33

<210> 1122

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1122

gcccaaaatg ctcatactgc gctggatgca cag 33

<210> 1123

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1123

gcccaatggc cgattcttcg ggctgatgca cag 33

<210> 1124

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1124

gcccaagcgc tggctggtct gtctctggca cag 33

<210> 1125

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1125

gcccaacgta ttgatatgcc ttttaaggca cag 33

<210> 1126

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1126

gcccaaacga tgtcgttgag tagtagtgca cag 33

<210> 1127

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1127

gcccaacaaa acgtcgccaa aaacctcgca cag 33

<210> 1128

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1128

gcccaattcg acaaccccaa caacgtcgca cag 33

<210> 1129

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1129

gcccaagtcc tcatgagaga aagcctcgca cag 33

<210> 1130

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1130

gcccaacacc acgacaccgg cagcgccgca cag 33

<210> 1131

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1131

gcccaagatg cgccgaatag tgtggatgca cag 33

<210> 1132

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1132

gcccaaactg cgagtaggga tgctaaggca cag 33

<210> 1133

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1133

gcccaaacta attatacgaa gcagattgca cag 33

<210> 1134

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1134

gcccaacctc ataatgcttc tgtgttggca cag 33

<210> 1135

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1135

gcccaaacca acaacaccag aaacatcgca cag 33

<210> 1136

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1136

gcccaaatgg ttcctaatca ttctggtgca cag 33

<210> 1137

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1137

gcccaaccgg tgccgcagtc tgagcatgca cag 33

<210> 1138

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1138

gcccaactct accacggcgg cagcaccgca cag 33

<210> 1139

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1139

gcccaaatga ttcatactag ggagacggca cag 33

<210> 1140

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1140

gcccaaacta ataatacgaa gcctcttgca cag 33

<210> 1141

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1141

gcccaactca acaccaccag aaacaccgca cag 33

<210> 1142

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1142

gcccaagctt tgcataattc tcagaatgca cag 33

<210> 1143

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1143

gcccaagtga atagtacgag gaatgttgca cag 33

<210> 1144

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1144

gcccaaggtg ttggggttgt tacgaaggca cag 33

<210> 1145

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1145

gcccaagttt tgtcgaagca gttggctgca cag 33

<210> 1146

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1146

gcccaatcta agtctctgca gccgttggca cag 33

<210> 1147

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1147

gcccaatcga attctacgcg gttggttgca cag 33

<210> 1148

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1148

gcccaactca accaaaccaa acaaatcgca cag 33

<210> 1149

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1149

gcccaaaaca acagcgtcag acaactcgca cag 33

<210> 1150

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1150

gcccaaatgt cggggtattc gcatactgca cag 33

<210> 1151

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1151

gcccaagtca aagtccccat catcaccgca cag 33

<210> 1152

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1152

gcccaaggga ataatactcg ggcggtggca cag 33

<210> 1153

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1153

gcccaacaga atcagattaa gaatattgca cag 33

<210> 1154

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1154

gcccaaacca acatgaccaa acccctcgca cag 33

<210> 1155

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1155

gcccaaaaca acagcaccag actcagcgca cag 33

<210> 1156

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1156

gcccaaagca tgctcaccag catcgtcgca cag 33

<210> 1157

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1157

gcccaactca acgccaccgc cagcagagca cag 33

<210> 1158

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1158

gcccaaaata ctggggtgca ggttagggca cag 33

<210> 1159

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1159

gcccaaacca acaccgtcag acccatcgca cag 33

<210> 1160

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1160

gcccaacagt ctacgccggg ggctactgca cag 33

<210> 1161

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1161

gcccaaggtc attctgagaa ttctcgtgca cag 33

<210> 1162

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1162

gcccaactcc ccacccaaac cctcagagca cag 33

<210> 1163

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1163

gcccaaaaga atgctccgat gcctgatgca cag 33

<210> 1164

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1164

gcccaaagca acagcaccaa acccaccgca cag 33

<210> 1165

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1165

gcccaaccta ttattactat gcctgctgca cag 33

<210> 1166

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1166

gcccaacccc tcaaaggcat cggcagcgca cag 33

<210> 1167

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1167

gcccaagtcc tcagcgtcaa ccacctcgca cag 33

<210> 1168

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1168

gcccaaagtg tggctgctgt gcatatggca cag 33

<210> 1169

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1169

gcccaaagca acagcatcag actcgtcgca cag 33

<210> 1170

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1170

gcccaacata atgatactcg tcctcttgca cag 33

<210> 1171

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1171

gcccaacctc cggtgaggtc tacggctgca cag 33

<210> 1172

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1172

gcccaaatga acaccgtcag aaacctcgca cag 33

<210> 1173

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1173

gcccaattga cggatggtca tcggattgca cag 33

<210> 1174

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1174

gcccaaacga atgcggtgaa gctgactgca cag 33

<210> 1175

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1175

gcccaacgtg tggatgcggt tttgagtgca cag 33

<210> 1176

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1176

gcccaaacca acgccgtcaa aagcaccgca cag 33

<210> 1177

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1177

gcccaaatgc tcaacaccac cgccagagca cag 33

<210> 1178

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1178

gcccaaggca acaacaccag acccaccgca cag 33

<210> 1179

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1179

gcccaacagt ctgggggtag tgcgttggca cag 33

<210> 1180

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1180

gcccaagtga ttgctttgtc tactatggca cag 33

<210> 1181

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1181

gcccaactga atacgattcg gaatgtggca cag 33

<210> 1182

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1182

gcccaaagca acgccaccag aagcgtcgca cag 33

<210> 1183

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1183

gcccaaggca acggcaccaa attcatcgca cag 33

<210> 1184

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1184

gcccaaagca acaccatcag acccgtcgca cag 33

<210> 1185

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1185

gcccaaagca acagcaccag agccatcgca cag 33

<210> 1186

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1186

gcccaatttc atttgactga taggggtgca cag 33

<210> 1187

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1187

gcccaaccga ttaggtcgga tactgtggca cag 33

<210> 1188

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1188

gcccaagcca accaaatcca caacaccgca cag 33

<210> 1189

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1189

gcccaatcga atacggttcg gaatactgca cag 33

<210> 1190

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1190

gcccaaacca gcctcggcta cagcagcgca cag 33

<210> 1191

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1191

gcccaaatca gcggcgtcca aaccagagca cag 33

<210> 1192

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1192

gcccaatcga atgctgttag gcagactgca cag 33

<210> 1193

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1193

gcccaatctc tttctgagct taggattgca cag 33

<210> 1194

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1194

gcccaaagta ctgagaagag ggatgaggca cag 33

<210> 1195

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1195

gcccaaaacc tcgtcggcac cctcatcgca cag 33

<210> 1196

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1196

gcccaaggca acaacatcag actcaccgca cag 33

<210> 1197

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1197

gcccaagccg tccccaccgg cctcagagca cag 33

<210> 1198

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1198

gcccaaggtg ataatagtct gactagggca cag 33

<210> 1199

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1199

gcccaacacg ccgacaacag actcaaagca cag 33

<210> 1200

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1200

gcccaaagca acgccaccag aaacttcgca cag 33

<210> 1201

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1201

gcccaaggga atacgactag ggggctggca cag 33

<210> 1202

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1202

gcccaactca acctcaccgc caccaacgca cag 33

<210> 1203

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1203

gcccaaagcg gcgtcagcac caccgacgca cag 33

<210> 1204

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1204

gcccaatatg ctaagacgtt ggctatggca cag 33

<210> 1205

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1205

gcccaaatga accacaccaa acccaccgca cag 33

<210> 1206

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1206

gcccaagcta atgctacgag gaattctgca cag 33

<210> 1207

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1207

gcccaacaaa accaaaccaa aatcaccgca cag 33

<210> 1208

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1208

gcccaatcta atgctattaa ggctacggca cag 33

<210> 1209

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1209

gcccaatatc ctgataatta tggtaaggca cag 33

<210> 1210

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1210

gcccaaggca acaccaccat cagaagcgca cag 33

<210> 1211

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1211

gcccaactgg gtcttacggg tgcggttgca cag 33

<210> 1212

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1212

gcccaagcga atagtacgcg tattctggca cag 33

<210> 1213

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1213

gcccaagata atgcgattcg tgcgcaggca cag 33

<210> 1214

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1214

gcccaaacga attatactaa gcttatggca cag 33

<210> 1215

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1215

gcccaacata atagtcctag tagttatgca cag 33

<210> 1216

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1216

gcccaagaga atatggttcg gtctgtggca cag 33

<210> 1217

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1217

gcccaaacca acaacatcaa aagctacgca cag 33

<210> 1218

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1218

gcccaaacta attcgacgag gcctgtggca cag 33

<210> 1219

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1219

gcccaacata cggctccgcc tcatcctgca cag 33

<210> 1220

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1220

gcccaagccc tcagccaaaa caccagcgca cag 33

<210> 1221

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1221

gcccaaccga atgtgactaa gaatgctgca cag 33

<210> 1222

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1222

gcccaacttg atacgctgac gggttatgca cag 33

<210> 1223

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1223

gcccaaccta atagtgtgcg ttctgttgca cag 33

<210> 1224

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1224

gcccaaacca gcagccacct cccccacgca cag 33

<210> 1225

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1225

gcccaagttc ttcatggtgg taatgatgca cag 33

<210> 1226

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1226

gcccaaagca actacgtcaa aagcgccgca cag 33

<210> 1227

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1227

gcccaagaca acaacagcac cagatgggca cag 33

<210> 1228

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1228

gcccaaactg tgatgaaggg ttttactgca cag 33

<210> 1229

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1229

gcccaaagcc acaccctcag caccctcgca cag 33

<210> 1230

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1230

gcccaacctg gtcctcagca ggcgaaggca cag 33

<210> 1231

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1231

gcccaaactt ttgggacgtc taagttggca cag 33

<210> 1232

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1232

gcccaaagca acgccgtcac caacagagca cag 33

<210> 1233

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1233

gcccaattgt ctatgtcgac ggtgcctgca cag 33

<210> 1234

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1234

gcccaaaggc gttatgatgg tagggaggca cag 33

<210> 1235

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1235

gcccaaacca acagcaccaa aaacatcgca cag 33

<210> 1236

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1236

gcccaaatta atgctcagtg gtctgcggca cag 33

<210> 1237

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1237

gcccaagccc aaaccagcaa cgaccccgca cag 33

<210> 1238

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1238

gcccaaacga atgagactag gatggtggca cag 33

<210> 1239

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1239

gcccaagcca acgccaccag aggcgtcgca cag 33

<210> 1240

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1240

gcccaagcgg atgtgaatgc ttcgggtgca cag 33

<210> 1241

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1241

gcccaactta gtgagcggaa ttatgtggca cag 33

<210> 1242

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1242

gcccaaagtg gtgagcttgc gcgggcggca cag 33

<210> 1243

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1243

gcccaaggga atactgctaa gaatattgca cag 33

<210> 1244

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1244

gcccaagaca acgccgtcag acccctcgca cag 33

<210> 1245

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1245

gcccaaatga tgctcagcgg cctcaacgca cag 33

<210> 1246

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1246

gcccaaccca acaccatcag aaacgtcgca cag 33

<210> 1247

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1247

gcccaagaga atttgacgcg tggggtggca cag 33

<210> 1248

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1248

gcccaattta gtgctcggag tacgggggca cag 33

<210> 1249

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1249

gcccaagaaa acgccaccag aacctacgca cag 33

<210> 1250

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1250

gcccaaggca acagcaccag aatgaacgca cag 33

<210> 1251

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1251

gcccaaggga attctactaa gtctcctgca cag 33

<210> 1252

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1252

gcccaaatgc aaaccaccct ccacctcgca cag 33

<210> 1253

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1253

gcccaaaacc ccaccctcat caccctcgca cag 33

<210> 1254

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1254

gcccaactta tttctggtca tgcgcaggca cag 33

<210> 1255

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1255

gcccaattca accaagtcag aagcctcgca cag 33

<210> 1256

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1256

gcccaaatga acatcctcag agaagtcgca cag 33

<210> 1257

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1257

gcccaaagtg ctatgatgcg tggtgttgca cag 33

<210> 1258

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1258

gcccaaccca tgctcagcag ccccagcgca cag 33

<210> 1259

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1259

gcccaacaga ataatacgct taggtcggca cag 33

<210> 1260

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1260

gcccaaaggc attcggatcc ggtggaggca cag 33

<210> 1261

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1261

gcccaagtga atacgacgtt ttctacggca cag 33

<210> 1262

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1262

gcccaaatca acagcaccag aggcatcgca cag 33

<210> 1263

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1263

gcccaaacca acgccgtcag agacctcgca cag 33

<210> 1264

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1264

gcccaatcta atagtactag gctgtcggca cag 33

<210> 1265

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1265

gcccaaacgt ctattgctgg gtcgtttgca cag 33

<210> 1266

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1266

gcccaactcg gcagcaccta ccccagagca cag 33

<210> 1267

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1267

gcccaagcca acgtcaccac ccaaagagca cag 33

<210> 1268

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1268

gcccaaagca acagcgtcag actcagcgca cag 33

<210> 1269

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1269

gcccaagcta cgaatgagcc tgatcgggca cag 33

<210> 1270

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1270

gcccaaagaa tgaaccccga acaaagcgca cag 33

<210> 1271

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1271

gcccaatcgg ttagtggttc ggctaatgca cag 33

<210> 1272

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1272

gcccaaccga gtaatagtac tacgcgtgca cag 33

<210> 1273

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1273

gcccaacttt ttcatggtac gcatgaggca cag 33

<210> 1274

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1274

gcccaacccc aactcggcag caccaaagca cag 33

<210> 1275

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1275

gcccaaccca tcagcgccaa cagactcgca cag 33

<210> 1276

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1276

gcccaaaatt cgggtaatct ttctatggca cag 33

<210> 1277

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1277

gcccaaaagg ttgaggctat tgggatggca cag 33

<210> 1278

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1278

gcccaaaaga ctttgcttaa tagtgttgca cag 33

<210> 1279

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1279

gcccaaaatg ctatggatct taaggtggca cag 33

<210> 1280

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1280

gcccaaatga tgggtaatgg gtcttcggca cag 33

<210> 1281

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1281

gcccaaagca acagcaccaa agccctcgca cag 33

<210> 1282

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1282

gcccaatcta atagtacgcg gggtacggca cag 33

<210> 1283

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1283

gcccaaagcc tcagcagcct ccacgtcgca cag 33

<210> 1284

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1284

gcccaaaccc tcagcggcgc cctcaccgca cag 33

<210> 1285

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1285

gcccaaccga atacggtgag gaataatgca cag 33

<210> 1286

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1286

gcccaaaata ataatgtgaa gatgactgca cag 33

<210> 1287

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1287

gcccaatctg ttgctaagcc ttttatggca cag 33

<210> 1288

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1288

gcccaaacgc agacgactcg gctttcggca cag 33

<210> 1289

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1289

gcccaaaata atgcgactcg gggtggggca cag 33

<210> 1290

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1290

gcccaaacca acaccaccgc cagaatcgca cag 33

<210> 1291

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1291

gcccaagaga atagtattcg gactattgca cag 33

<210> 1292

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1292

gcccaaatta gggagacttc tgggaaggca cag 33

<210> 1293

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1293

gcccaaagca tctactacca caccgaagca cag 33

<210> 1294

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1294

gcccaagtcc tcgacaacag cggccaagca cag 33

<210> 1295

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1295

gcccaaagcc acaacatgac catcagagca cag 33

<210> 1296

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1296

gcccaaacca tccccagcgc cggcaaagca cag 33

<210> 1297

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1297

gccccaccta ggcatacttt gagtcaggca cag 33

<210> 1298

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1298

gcccaatcgc ttaatgtgca ggatgtggca cag 33

<210> 1299

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1299

gcccaatatc agtctctggc taatccggca cag 33

<210> 1300

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1300

gcccaaattc tgaatatgtc tacggatgca cag 33

<210> 1301

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1301

gcccaagtcc tccacctcgg ccacagcgca cag 33

<210> 1302

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1302

gcccaaggtg ttactcagac tccgcgtgca cag 33

<210> 1303

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1303

gcccaaacca acgacaccag aagaatcgca cag 33

<210> 1304

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1304

gcccaacaaa ccgaccacac cagcagagca cag 33

<210> 1305

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1305

gcccaaaaga atgagattaa gaatgtggca cag 33

<210> 1306

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1306

gcccaatgga ctggtaatga gaggcttgca cag 33

<210> 1307

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1307

gcccaaggta agagtgatgc tatgcgggca cag 33

<210> 1308

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1308

gcccaaggga atgcgactcg tacttatgca cag 33

<210> 1309

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1309

gcccaagcca gcaacctcgg cctccccgca cag 33

<210> 1310

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1310

gcccaaagca gcctcagcgg cagccccgca cag 33

<210> 1311

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1311

gcccaagccg ccgtcaacca aggcgtcgca cag 33

<210> 1312

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1312

gcccaagacc aaaaccaacc cagagaagca cag 33

<210> 1313

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1313

gcccaactca cccaagacaa acaagccgca cag 33

<210> 1314

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1314

gcccaattcg gcagcaacga acacaacgca cag 33

<210> 1315

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1315

gcccaactga atcagccgaa tgtgcgggca cag 33

<210> 1316

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1316

gcccaaatga atactacgcg taatctggca cag 33

<210> 1317

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1317

gcccaaacta attctactag gacgagtgca cag 33

<210> 1318

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1318

gcccaatttg agctttcgca tgtgcctgca cag 33

<210> 1319

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1319

gcccaagaag gcctcggcaa cgccgccgca cag 33

<210> 1320

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1320

gcccaactca ccgtcaccct caaccacgca cag 33

<210> 1321

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1321

gcccaatttg ggaatgcgat tcagtctgca cag 33

<210> 1322

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1322

gcccaaccgg gtgggggttt gactccggca cag 33

<210> 1323

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1323

gcccaaccca acatgaccag aagcctcgca cag 33

<210> 1324

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1324

gcccaaagtc agctgcatag gttgcaggca cag 33

<210> 1325

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1325

gcccaaaatg atcctgtgct gactgtggca cag 33

<210> 1326

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1326

gcccaagaaa acagcgtcag aaccaccgca cag 33

<210> 1327

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1327

gcccaagatc gtgtgactaa tccgaaggca cag 33

<210> 1328

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1328

gcccaactca acaccggcca aatgagagca cag 33

<210> 1329

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1329

gcccaaatta gtccttctca ggtgaaggca cag 33

<210> 1330

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1330

gcccaataca gcgccgacaa aaccaccgca cag 33

<210> 1331

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1331

gcccaaattg atagtgcggg gatggcggca cag 33

<210> 1332

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1332

gcccaaagca acaacatcaa actcaacgca cag 33

<210> 1333

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1333

gcccaacttg agacgcagcc taggactgca cag 33

<210> 1334

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1334

gcccaaaatt tgcatagtaa tgtgctggca cag 33

<210> 1335

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1335

gcccaaatgg tcaaagacac ccaactcgca cag 33

<210> 1336

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1336

gcccaactca tgcacctcac caaccccgca cag 33

<210> 1337

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1337

gcccaagtcg ccagccccga caaaagagca cag 33

<210> 1338

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1338

gcccaagtcg tcgccgtcct caccagcgca cag 33

<210> 1339

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1339

gcccaaaaca tcatggtcaa cgtccccgca cag 33

<210> 1340

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1340

gcccaaccgt atagtgggca gcggactgca cag 33

<210> 1341

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1341

gcccaacctc tgcttaagac gaatactgca cag 33

<210> 1342

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1342

gcccaaggga atactacggt gcgtggggca cag 33

<210> 1343

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1343

gcccaaacca acaaagtcag agacgacgca cag 33

<210> 1344

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1344

gcccaaccca gcaccgccct cctcgtcgca cag 33

<210> 1345

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1345

gcccaaatcc aaagcatcac cctcaaagca cag 33

<210> 1346

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1346

gcccaacccc tccacgccaa catgagcgca cag 33

<210> 1347

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1347

gcccaaaccg cccacgccga agccagagca cag 33

<210> 1348

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1348

gcccaaacga atacggattc gtatcgtgca cag 33

<210> 1349

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1349

gcccaaaccc acgtcagcct cgacagagca cag 33

<210> 1350

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1350

gcccaattta gtacgaagga tcatgttgca cag 33

<210> 1351

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1351

gcccaagaca acacccaaac cgcccccgca cag 33

<210> 1352

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1352

gcccaaagca acagaatcat cagcggcgca cag 33

<210> 1353

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1353

gcccaaacta attctgttag gaataatgca cag 33

<210> 1354

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1354

gcccaaagca acgaagtcag aaacatggca cag 33

<210> 1355

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1355

gcccaagaac tctacaaacc cagcagagca cag 33

<210> 1356

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1356

gcccaatgga ttacgggggg tgcgagtgca cag 33

<210> 1357

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1357

gcccaaaaca acagcgtcag acccaccgca cag 33

<210> 1358

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1358

gcccaacaca ccgccgtcct cagaaccgca cag 33

<210> 1359

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1359

gcccaaaata ctttgtctct tgctcctgca cag 33

<210> 1360

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1360

gcccaaccca acgccagcgt caacagcgca cag 33

<210> 1361

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1361

gcccaagtta ctggtgggaa tacttatgca cag 33

<210> 1362

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1362

gcccaagtca acgaaaacct catcgaagca cag 33

<210> 1363

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1363

gcccaagttt tgacgactca ttcgaatgca cag 33

<210> 1364

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1364

gcccaacaca cccaactccc cctcaccgca cag 33

<210> 1365

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1365

gcccaacggc agtctcttga ggcgttggca cag 33

<210> 1366

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1366

gcccaacccg acgtcaccga aggcagagca cag 33

<210> 1367

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1367

gcccaaccga ctaatattat gcttgatgca cag 33

<210> 1368

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1368

gcccaaccca acatgagcgc catgatcgca cag 33

<210> 1369

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1369

gcccaaatta tgaatggtca ggctctggca cag 33

<210> 1370

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1370

gcccaaaata ataattcgac gcgttttgca cag 33

<210> 1371

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1371

gcccaagcca acgtcaccag aagcaccgca cag 33

<210> 1372

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1372

gcccaacaga atcttggtct taatgtggca cag 33

<210> 1373

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1373

gcccaacaag cccaaatgag cagcgccgca cag 33

<210> 1374

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1374

gcccaactca ccatggccac caacgtcgca cag 33

<210> 1375

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1375

gcccaagatc gtgattctgt gcagaatgca cag 33

<210> 1376

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1376

gcccaagtca accccaccaa caacctcgca cag 33

<210> 1377

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1377

gcccaaccgt cttttacgac tatgagtgca cag 33

<210> 1378

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1378

gcccaaaggg agacgcctat tcctaaggca cag 33

<210> 1379

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1379

gcccaaagcc tcaacttcac caccgccgca cag 33

<210> 1380

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1380

gcccaaggta tgagtggggt tgctcaggca cag 33

<210> 1381

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1381

gcccaaaagg ttgatgcggc tcagagtgca cag 33

<210> 1382

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1382

gcccaacata ttacgactaa tgtgtctgca cag 33

<210> 1383

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1383

gcccaagagc gggagtcggc tcgtcttgca cag 33

<210> 1384

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1384

gcccaagata ataggactca gaggacggca cag 33

<210> 1385

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1385

gcccaatctg cgcctaatgt gactattgca cag 33

<210> 1386

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1386

gcccaagaaa acggcaccag aaacaccgca cag 33

<210> 1387

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1387

gcccaaggca ccgccgtctt caccgccgca cag 33

<210> 1388

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1388

gcccaagcca acaacatgag ccaaaccgca cag 33

<210> 1389

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1389

gcccaaggta atcatactta taatctggca cag 33

<210> 1390

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1390

gcccaactga gtccttcgaa ttctaatgca cag 33

<210> 1391

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1391

gcccaaatgg gcgccgacca cagaaccgca cag 33

<210> 1392

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1392

gcccaaagta attcgacgcg tggttctgca cag 33

<210> 1393

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1393

gcccaaaata cttctggtgt gcctaaggca cag 33

<210> 1394

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1394

gcccaaatca acaccgccgt cgtcagcgca cag 33

<210> 1395

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1395

gcccaaatgg gggttcaggc ttatgtggca cag 33

<210> 1396

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1396

gcccaaggga attttgttaa gccgaatgca cag 33

<210> 1397

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1397

gcccaagtga attcggtgag gatgattgca cag 33

<210> 1398

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1398

gcccaacacg acagcgccaa cagcagagca cag 33

<210> 1399

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1399

gcccaactcg gcgtcagaga cgacagcgca cag 33

<210> 1400

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1400

gcccaaagca acgccgtcag agccaacgca cag 33

<210> 1401

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1401

gcccaacccg tcctcgccgc caccatggca cag 33

<210> 1402

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1402

gcccaaaata agcctgtgtc tggtaatgca cag 33

<210> 1403

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1403

gcccaagtcg gcctcgccag ccacaccgca cag 33

<210> 1404

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1404

gcccaaggca gcaacaccaa catgaaagca cag 33

<210> 1405

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1405

gcccaagttg ctactactgt gcataatgca cag 33

<210> 1406

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1406

gcccaaaaca ccctcgacag cagagtcgca cag 33

<210> 1407

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1407

gcccaaaggg aggctaattt gcaggcggca cag 33

<210> 1408

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1408

gcccaagtcg acgccctcag ccacatggca cag 33

<210> 1409

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1409

gcccaacttc gtcttgctgg tcttgctgca cag 33

<210> 1410

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1410

gcccaaatta cggtgactaa ttattcggca cag 33

<210> 1411

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1411

gcccaatggg acagcggcag cggcgaagca cag 33

<210> 1412

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1412

gcccaattcg ccagcgaaac cgtcgccgca cag 33

<210> 1413

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1413

gcccaacaga atgttacggg gacgagggca cag 33

<210> 1414

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1414

gcccaactta atgggttgaa tgtgtctgca cag 33

<210> 1415

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1415

gcccaaaata tgcttaagca gagtgaggca cag 33

<210> 1416

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1416

gcccaattta atgaggttcc gaaggcggca cag 33

<210> 1417

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1417

gcccaactcg gcgacatcac cggcttcgca cag 33

<210> 1418

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1418

gcccaaattt cggcttctca ttctcgtgca cag 33

<210> 1419

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1419

gcccaaagtc agacgcagat tgctcttgca cag 33

<210> 1420

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1420

gcccaaaata tggctactca gatgaaggca cag 33

<210> 1421

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1421

gcccaagtca accacaacat cagactcgca cag 33

<210> 1422

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1422

gcccaaaacg ccctccaagt ccccgtcgca cag 33

<210> 1423

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1423

gcccaaaatt cgacgggtat tgatacggca cag 33

<210> 1424

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1424

gcccaagttg ttgctgggca tcttaatgca cag 33

<210> 1425

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1425

gcccaacgga atgatgcgat tctgaatgca cag 33

<210> 1426

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1426

gcccaaaatc gggttgattc gcgggctgca cag 33

<210> 1427

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1427

gcccaatcga cgcattctac ttatgtggca cag 33

<210> 1428

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1428

gcccaaagtg ggcatgggac tctgcgggca cag 33

<210> 1429

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1429

gcccaaccca acagcaccac cctcagcgca cag 33

<210> 1430

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1430

gcccaagaca ccaaacccac caacaccgca cag 33

<210> 1431

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1431

gcccaaaaca gagacaccat caacaacgca cag 33

<210> 1432

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1432

gcccaaccca gaaccctcag cgacggcgca cag 33

<210> 1433

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1433

gcccaaacca aagacgtcac caccagcgca cag 33

<210> 1434

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1434

gcccaactgg gtaatcctac gccttctgca cag 33

<210> 1435

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1435

gcccaatatc aggcgatgta tagggatgca cag 33

<210> 1436

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1436

gcccaaagcg gcgtccaaga attcgacgca cag 33

<210> 1437

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1437

gcccaatcta atcatctgtc gacggttgca cag 33

<210> 1438

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1438

gcccaacacg acgaaagagc caacatggca cag 33

<210> 1439

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1439

gcccaaacga atagtactcg gtcgcctgca cag 33

<210> 1440

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1440

gcccaaccga cggataagtc ttatccggca cag 33

<210> 1441

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1441

gcccaaatga ccgaacaaag aaccgccgca cag 33

<210> 1442

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1442

gcccaaacca acgccaccca cagcaaagca cag 33

<210> 1443

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1443

gcccaaaatc ggggtacttt tagtgcggca cag 33

<210> 1444

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1444

gcccaaaaca ccaccaaatt caacaccgca cag 33

<210> 1445

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1445

gcccaaggga ttccgccttt gactaaggca cag 33

<210> 1446

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1446

gcccaaaccg ccaacagcac ccaaagagca cag 33

<210> 1447

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1447

gcccaaactc agggtccggg tccgaaggca cag 33

<210> 1448

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1448

gcccaaatga atactacgcg gaattatgca cag 33

<210> 1449

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1449

gcccaactca gagaaggcac cttcatggca cag 33

<210> 1450

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1450

gcccaaaaca tcagcagcac cgacagagca cag 33

<210> 1451

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1451

gcccaatcgg ttagtcggcc gtttcaggca cag 33

<210> 1452

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1452

gcccaaccta tgtctgctaa tgggaaggca cag 33

<210> 1453

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1453

gcccaagaag tcagaggcaa caccttcgca cag 33

<210> 1454

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1454

gcccaatcgc agaagggtct gtctgtggca cag 33

<210> 1455

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1455

gcccaaattg ctgagaatct gagtgctgca cag 33

<210> 1456

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1456

gcccaattca gcaacatgaa cctcaaagca cag 33

<210> 1457

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1457

gcccaacctc gtgagcggac ttatactgca cag 33

<210> 1458

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1458

gcccaatggt cgcataatcc ggattctgca cag 33

<210> 1459

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1459

gcccaaggtc ttcagactct gattacggca cag 33

<210> 1460

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1460

gcccaaagca acagaaccaa agacatcgca cag 33

<210> 1461

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1461

gcccaagtga ctgagacgat tcttaaggca cag 33

<210> 1462

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1462

gcccaatatg ttacgcgtag tggtctggca cag 33

<210> 1463

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1463

gcccaaatga acgccaacat cctcgtcgca cag 33

<210> 1464

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1464

gcccaaacta cgaatcgggt gggtacggca cag 33

<210> 1465

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1465

gcccaagtcc tcaaaagcca cctccaagca cag 33

<210> 1466

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1466

gcccaaagcg acggcctcag aacccaagca cag 33

<210> 1467

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1467

gcccaactca acagcgtcaa acccaacgca cag 33

<210> 1468

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1468

gcccaaagcc aagccatcgc ccccaaagca cag 33

<210> 1469

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1469

gcccaatcta ataatgttcg tgctccggca cag 33

<210> 1470

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1470

gcccaaatca gccacctcag cgaaagcgca cag 33

<210> 1471

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1471

gcccaactcc tccccggcat gagattcgca cag 33

<210> 1472

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1472

gcccaacttc ttgcgtcggc tacgaaggca cag 33

<210> 1473

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1473

gcccaaaacc acaacggcat ggtcagcgca cag 33

<210> 1474

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1474

gcccaacaca gcggcgaact caacaacgca cag 33

<210> 1475

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1475

gcccaacttt ctgcgcctaa ggatactgca cag 33

<210> 1476

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1476

gcccaaattg ggactcatgt ggggacggca cag 33

<210> 1477

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1477

gcccaagccg tcgccctcgc cagcgccgca cag 33

<210> 1478

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1478

gcccaaatta ctcttcagtc taatgctgca cag 33

<210> 1479

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1479

gcccaagtcg accacagcct caccagcgca cag 33

<210> 1480

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1480

gcccaaggca acgaagccac cagcctcgca cag 33

<210> 1481

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1481

gcccaacccg tcagcagcac caccctcgca cag 33

<210> 1482

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1482

gcccaaccct accaaaccag cagcgccgca cag 33

<210> 1483

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1483

gcccaaacca gcgtcgtcag cgccttcgca cag 33

<210> 1484

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1484

gcccaaaacg gcgtccccga caacaacgca cag 33

<210> 1485

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1485

gcccaaagca cccaaaccat cggcttcgca cag 33

<210> 1486

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1486

gcccaaattc ggagttctga tcttgcggca cag 33

<210> 1487

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1487

gcccaaaaca cccaaagcgc caaatacgca cag 33

<210> 1488

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1488

gcccaaagtc ttgagtcgtc taggcaggca cag 33

<210> 1489

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1489

gcccaactca acctcgccag cggcagagca cag 33

<210> 1490

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1490

gcccaaatgc aggagcgtcg ggagtatgca cag 33

<210> 1491

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1491

gcccaatggc tcctcaaaga cggctacgca cag 33

<210> 1492

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1492

gcccaaggca gataccaaac caccagcgca cag 33

<210> 1493

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1493

gcccaaaata cgacgaagtt tccgtttgca cag 33

<210> 1494

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1494

gcccaaatga gcaacggcat cagcagagca cag 33

<210> 1495

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1495

gcccaaccga ttcgggatcc ggagaaggca cag 33

<210> 1496

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1496

gcccaaagta cgctgagtcc gcatgttgca cag 33

<210> 1497

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1497

gcccaattca tgcccatcag cagcgccgca cag 33

<210> 1498

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1498

gcccaaagaa gcgacaccca aagcagcgca cag 33

<210> 1499

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1499

gcccaagata atcatgttat ggctcgtgca cag 33

<210> 1500

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1500

gcccaaaatc tgtcttctaa gagttgggca cag 33

<210> 1501

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1501

gcccaatcta cgattctgaa ggatactgca cag 33

<210> 1502

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1502

gcccaaccta ctcatcagtc taagccggca cag 33

<210> 1503

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1503

gcccaaacgg aggtgactca gaataaggca cag 33

<210> 1504

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1504

gcccaacacc tcgacagcaa cggcagcgca cag 33

<210> 1505

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1505

gcccaaaata ctgattctcg tgtgggggca cag 33

<210> 1506

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1506

gcccaaagca tgggcctcaa agaaaaagca cag 33

<210> 1507

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1507

gcccaattga gtacgtcgta tactcgggca cag 33

<210> 1508

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1508

gcccaatctg ggatgagtaa taatcatgca cag 33

<210> 1509

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1509

gcccaaacca actacgacct cagagccgca cag 33

<210> 1510

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1510

gcccaaaccc cccaaagcca agaaatggca cag 33

<210> 1511

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1511

gcccaaaata gtaatatggt tacgcctgca cag 33

<210> 1512

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1512

gcccaatcgg ctgttccgaa tgttaaggca cag 33

<210> 1513

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1513

gcccaagtcc tcgtcgccgg cagcagagca cag 33

<210> 1514

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1514

gcccaaggca acaacagcag aaacatggca cag 33

<210> 1515

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1515

gcccaaatgc ctaggggtca tgtttcggca cag 33

<210> 1516

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1516

gcccaatgga gccacagcga aaacagcgca cag 33

<210> 1517

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1517

gcccaatttg agaaggatcc tgtggctgca cag 33

<210> 1518

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1518

gcccaaatta ctcaggctac tcctagtgca cag 33

<210> 1519

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1519

gcccaagcca acctcagcca cctccacgca cag 33

<210> 1520

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1520

gcccaaggca tcaccaacag caccatcgca cag 33

<210> 1521

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1521

gcccaaccgt ctcagcagcc tactagggca cag 33

<210> 1522

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1522

gcccaacagc agacgcatga ggatattgca cag 33

<210> 1523

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1523

gcccaacagg ttaatgtgtc tccggatgca cag 33

<210> 1524

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1524

gcccaaaaag ccgtcgtcac ccaaaccgca cag 33

<210> 1525

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1525

gcccaaaata ctgtgaggtc gtcgactgca cag 33

<210> 1526

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1526

gcccaaaacg ccagcagcca cctcctcgca cag 33

<210> 1527

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1527

gcccaataca tcaaagacag cacccccgca cag 33

<210> 1528

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1528

gcccaaagca gcgaaagcac caacctcgca cag 33

<210> 1529

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1529

gcccaaaaag aaaacgtcga aggcaacgca cag 33

<210> 1530

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1530

gcccaaaaca acgtcctcgg cacccccgca cag 33

<210> 1531

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1531

gcccaacaga atgttagtat tttggatgca cag 33

<210> 1532

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1532

gcccaacctc tgaattctga gaataatgca cag 33

<210> 1533

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1533

gcccaaacga ttaatctggt tgggtatgca cag 33

<210> 1534

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1534

gcccaaccgg cgttggctgc tcaggctgca cag 33

<210> 1535

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1535

gcccaaactt tgcagaattc gattacggca cag 33

<210> 1536

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1536

gcccaattgg gtgggacgga tggtcatgca cag 33

<210> 1537

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1537

gcccaagccg gccccatcaa caacaccgca cag 33

<210> 1538

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1538

gcccaacatg ttcttacgca gtcggttgca cag 33

<210> 1539

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1539

gcccaaacca ccatccccag ccaccaagca cag 33

<210> 1540

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1540

gcccaacacg acggcctcct cagcagagca cag 33

<210> 1541

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1541

gcccaaagca tccacaccgg cctcaccgca cag 33

<210> 1542

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1542

gcccaaggga atatgactaa gtttactgca cag 33

<210> 1543

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1543

gcccaatatg ctttgagtac tgatacggca cag 33

<210> 1544

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1544

gcccaaaccc aagccgacaa cctcaaagca cag 33

<210> 1545

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1545

gcccaatggt acaaaaccct cgacgccgca cag 33

<210> 1546

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1546

gcccaacccc aatacgccaa aatcagcgca cag 33

<210> 1547

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1547

gcccaactcg ccaccgacaa caaaagcgca cag 33

<210> 1548

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1548

gcccaactca gcgtcgtcat caccagcgca cag 33

<210> 1549

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1549

gcccaaaatg tgccgacttc gccgcgggca cag 33

<210> 1550

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1550

gcccaagcca gacccgacct caaactcgca cag 33

<210> 1551

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1551

gcccaaagcg ccctcgccaa caccctcgca cag 33

<210> 1552

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1552

gcccaactca tggacttcag caaccccgca cag 33

<210> 1553

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1553

gcccaacctc ggacggagtt gattagtgca cag 33

<210> 1554

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1554

gcccaaacca gcgacatcaa aagcaaagca cag 33

<210> 1555

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1555

gcccaaagca acgccaccat gagattcgca cag 33

<210> 1556

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1556

gcccaagtcc aaagccccgc cctccaagca cag 33

<210> 1557

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1557

gcccaaaccg ccaacaccac cagcagagca cag 33

<210> 1558

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1558

gcccaacaac acatgaccag ccaaatcgca cag 33

<210> 1559

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1559

gcccaaagta atatgtcgtt gagtagtgca cag 33

<210> 1560

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1560

gcccaaatta cggggattcc gacgtcggca cag 33

<210> 1561

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1561

gcccaattta ctaataatgt gagggatgca cag 33

<210> 1562

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1562

gcccaaaaca gcaacgccgg cggcaaagca cag 33

<210> 1563

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1563

gcccaataca acaccgacat caccaaagca cag 33

<210> 1564

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1564

gcccaatttt cgaatccgga taagatggca cag 33

<210> 1565

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1565

gcccaactca tgaccaccag caccatcgca cag 33

<210> 1566

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1566

gcccaaacga atagtactct taggcaggca cag 33

<210> 1567

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1567

gcccaatcga attatactaa gattattgca cag 33

<210> 1568

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1568

gcccaatctg ctgggcttat ttcttcggca cag 33

<210> 1569

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1569

gcccaaaagc agggtccgat gctgtctgca cag 33

<210> 1570

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1570

gcccaagtga ggactccggg tgtgcaggca cag 33

<210> 1571

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1571

gcccaaactc ctgatcatcg ggagcgggca cag 33

<210> 1572

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1572

gcccaaatga atgctactgt tccttctgca cag 33

<210> 1573

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1573

gcccaactcc acagcatgct cgcccccgca cag 33

<210> 1574

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1574

gcccaagaca tgcaccacag ccaacccgca cag 33

<210> 1575

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1575

gcccaaaaac ccctccccac cacctacgca cag 33

<210> 1576

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1576

gcccaagcca tgcaagtcac cctcagcgca cag 33

<210> 1577

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1577

gcccaaagcc ccacccacga cgccagagca cag 33

<210> 1578

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1578

gcccaagcgc tttctgttaa ggagcttgca cag 33

<210> 1579

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1579

gcccaaccgt ctcgtgtgcc gactcaggca cag 33

<210> 1580

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1580

gcccaaggca gcctcggcct cggcaaagca cag 33

<210> 1581

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1581

gcccaacata gttcgtattc gtcgaaggca cag 33

<210> 1582

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1582

gcccaaccga atcctagtaa tccttctgca cag 33

<210> 1583

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1583

gcccaaacta agaatggtgt tgcgcaggca cag 33

<210> 1584

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1584

gcccaaggta gtacgagtag tgcttatgca cag 33

<210> 1585

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1585

gcccaaagaa gcacccacga aaacaccgca cag 33

<210> 1586

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1586

gcccaatctg gtcatgatcg tgatgctgca cag 33

<210> 1587

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1587

gcccaaaata ctcagtctta tactagtgca cag 33

<210> 1588

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1588

gcccaagatc gtgttccgca tttgcgggca cag 33

<210> 1589

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1589

gcccaaaata atccgcctca tatgcgggca cag 33

<210> 1590

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1590

gcccaaagaa gcctccaaag ccaattcgca cag 33

<210> 1591

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1591

gcccaaattc gtgatgatcg gtctttggca cag 33

<210> 1592

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1592

gcccaaatgt tgtctgctcc gctgccggca cag 33

<210> 1593

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1593

gcccaaactt cgagtatttt gactacggca cag 33

<210> 1594

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1594

gcccaacgtg agcagatgaa tcttgtggca cag 33

<210> 1595

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1595

gcccaaaaga cgcagagttt gagtaatgca cag 33

<210> 1596

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1596

gcccaattga agactgctga gtatactgca cag 33

<210> 1597

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1597

gcccaatcga gtgagaagcc gtttcgggca cag 33

<210> 1598

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1598

gcccaaccca ccagcggcgt cttcggcgca cag 33

<210> 1599

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1599

gcccaaggcc ccagcatcgt caccatggca cag 33

<210> 1600

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1600

gcccaaacga gtgataagag ttcgcttgca cag 33

<210> 1601

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1601

gcccaaaata ctattactat ggctaaggca cag 33

<210> 1602

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1602

gcccaacgga atcagcctgt tccgagtgca cag 33

<210> 1603

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1603

gcccaaagcg tccacctcaa cctccaagca cag 33

<210> 1604

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1604

gcccaatata atctgacgat ggttagtgca cag 33

<210> 1605

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1605

gcccaaaccg ccgacagcca ccccagagca cag 33

<210> 1606

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1606

gcccaattgc ttggtgagaa ggtgatggca cag 33

<210> 1607

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1607

gcccaatggg atctgactgc tccgcaggca cag 33

<210> 1608

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1608

gcccaagtgc ttgctgatcg tcttccggca cag 33

<210> 1609

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1609

gcccaatctc gtgcgctgcc gaattcggca cag 33

<210> 1610

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1610

gcccaaagca gcctcaacat gcccagagca cag 33

<210> 1611

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1611

gcccaacaga aggtttcgat tttggctgca cag 33

<210> 1612

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1612

gcccaaagag gcgacaacag cagactcgca cag 33

<210> 1613

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1613

gcccaaagaa tcgacctcgg cagccaagca cag 33

<210> 1614

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1614

gcccaagcgt cgctgggtct tcgggctgca cag 33

<210> 1615

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1615

gcccaatcga tgcagaatgg tcttcgggca cag 33

<210> 1616

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1616

gcccaaacgt tggctgtggg gattgcggca cag 33

<210> 1617

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1617

gcccaagggc agactgtgac gggggcggca cag 33

<210> 1618

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1618

gcccaacatg ctttgagtcc ttctccggca cag 33

<210> 1619

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1619

gcccaagtca gcagcgtctt caccgaagca cag 33

<210> 1620

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1620

gcccaatacg gcgccggcgc cgtcaaagca cag 33

<210> 1621

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1621

gcccaaaaag aaaccctccc caacgccgca cag 33

<210> 1622

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1622

gcccaaatcc ccagccaaac ccccctcgca cag 33

<210> 1623

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1623

gcccaaagcg ccatcagcac cttcgtcgca cag 33

<210> 1624

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1624

gcccaagtca acagcaccag cagcaccgca cag 33

<210> 1625

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1625

gcccaaccta cgcgtgatta taaggaggca cag 33

<210> 1626

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1626

gcccaaaaca accccgccag cacccaagca cag 33

<210> 1627

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1627

gcccaagtga cgcagacgtc tgttaatgca cag 33

<210> 1628

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1628

gcccaatggg ccggcaccac cagccacgca cag 33

<210> 1629

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1629

gcccaagtca ccgccggctt cagcgccgca cag 33

<210> 1630

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1630

gcccaattgc attctccttc tatgcaggca cag 33

<210> 1631

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1631

gcccaatttc ctacgcagcc ttcgatggca cag 33

<210> 1632

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1632

gcccaagccc aaagcgtcaa cgacggcgca cag 33

<210> 1633

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1633

gcccaagtcg ccagcaccac ctacaccgca cag 33

<210> 1634

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1634

gcccaactgg gggggttgaa ttcggtggca cag 33

<210> 1635

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1635

gcccaagccg gcgcccccag cctcagcgca cag 33

<210> 1636

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1636

gcccaaagta ataggaagat tgatgatgca cag 33

<210> 1637

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1637

gcccaatctc ctaataatag ggctgtggca cag 33

<210> 1638

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1638

gcccaagttt tgagggagga tcagtcggca cag 33

<210> 1639

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1639

gcccaacttc ttgcgactgg gcttaaggca cag 33

<210> 1640

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1640

gcccaagtcc acctcagaag ccaaatcgca cag 33

<210> 1641

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1641

gcccaaagtg cgaattcgaa tttgaaggca cag 33

<210> 1642

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1642

gcccaaagca aagccggcga aggcaacgca cag 33

<210> 1643

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1643

gcccaagtca gcaaccccgc catgaaagca cag 33

<210> 1644

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1644

gcccaaatca acggcaacaa ccaaagagca cag 33

<210> 1645

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1645

gcccaatata agtcgacgac tctttctgca cag 33

<210> 1646

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1646

gcccaaaaag aaggcctcgt cagcagagca cag 33

<210> 1647

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1647

gcccaacacc tcaaagtcat gaccatcgca cag 33

<210> 1648

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1648

gcccaaagaa ccaacgacca cagcagcgca cag 33

<210> 1649

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1649

gcccaactgc cttctcagtc tgctaaggca cag 33

<210> 1650

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1650

gcccaaatta cgctgaggca tttgcaggca cag 33

<210> 1651

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1651

gcccaacaaa tgatcgccaa catccccgca cag 33

<210> 1652

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1652

gcccaaagtt cttcgactga tcagcatgca cag 33

<210> 1653

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1653

gcccaaagaa gcaccgactt cacccccgca cag 33

<210> 1654

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1654

gcccaacagc atgcgtctat ttctgctgca cag 33

<210> 1655

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1655

gcccaaaaca tcagcagcat gcaaatggca cag 33

<210> 1656

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1656

gcccaatcgg ggaatgttgt ggggcgggca cag 33

<210> 1657

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1657

gcccaaagca aaggcgacac cagcgccgca cag 33

<210> 1658

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1658

gcccaactgc tgaatacggg gactaaggca cag 33

<210> 1659

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1659

gcccaaggta ctggggctag tatgaatgca cag 33

<210> 1660

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1660

gcccaacgtc ttgatgcgaa ttctacggca cag 33

<210> 1661

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1661

gcccaactcc ccgaaagacc caacagcgca cag 33

<210> 1662

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1662

gcccaagcca gagaaatcct caaccacgca cag 33

<210> 1663

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1663

gcccaaaact tcaaaaccac caacagcgca cag 33

<210> 1664

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1664

gcccaaggca gaaccgtcca agacagagca cag 33

<210> 1665

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1665

gcccaaggta tgaatcagac gacgactgca cag 33

<210> 1666

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1666

gcccaagtcg gcaaagacgg cgtcctcgca cag 33

<210> 1667

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1667

gcccaagtca ccagagacgg cgccaaagca cag 33

<210> 1668

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1668

gcccaaggta ctgctacgta tggtaaggca cag 33

<210> 1669

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1669

gcccaaatgt tgggtgctga ggggtatgca cag 33

<210> 1670

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1670

gcccaagtca cccaacaaaa ccaccacgca cag 33

<210> 1671

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1671

gcccaaaccg tcaacgccga ccaactcgca cag 33

<210> 1672

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1672

gcccaacaga tgcagaatag tcctattgca cag 33

<210> 1673

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1673

gcccaaggga cgctggcgag ttcgaaggca cag 33

<210> 1674

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1674

gcccaatcta atgtgacgat tgcgcatgca cag 33

<210> 1675

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1675

gcccaagcga ataattctcg tccgtttgca cag 33

<210> 1676

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1676

gcccaaattg cgacggcggg tggtcctgca cag 33

<210> 1677

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1677

gcccaagcct tcagcggccc cagcagagca cag 33

<210> 1678

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1678

gcccaactca ccaacctcgt cagcagagca cag 33

<210> 1679

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1679

gcccaagccg gccaacacct cgccctcgca cag 33

<210> 1680

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1680

gcccaaagtg ttgtggcgtc tgcgaatgca cag 33

<210> 1681

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1681

gcccaagaga ctgtttcgac tagtcttgca cag 33

<210> 1682

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1682

gcccaaatcc tcgccgccct caccggcgca cag 33

<210> 1683

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1683

gcccaaacga cggataaggc tgcgcttgca cag 33

<210> 1684

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1684

gcccaatacc tcgacaaacc cggcgccgca cag 33

<210> 1685

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1685

gcccaaccca acctcagcaa cctcatggca cag 33

<210> 1686

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1686

gcccaaatta atgcgcctac ggctagtgca cag 33

<210> 1687

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1687

gcccaacatg gtggtacgag tctggctgca cag 33

<210> 1688

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1688

gcccaaaata ttcagttgtc tcttgctgca cag 33

<210> 1689

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1689

gcccaaactc ttcatatgtc tagtaaggca cag 33

<210> 1690

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1690

gcccaagcca tcatcaaccc ccacagcgca cag 33

<210> 1691

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1691

gcccaaaata ctctgattaa tgttagtgca cag 33

<210> 1692

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1692

gcccaaaaca gcgtcgtcct cgccatggca cag 33

<210> 1693

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1693

gcccaaaata tggcttcttt gtcggcggca cag 33

<210> 1694

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1694

gcccaaagca gcacccacct cctcgccgca cag 33

<210> 1695

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1695

gcccaagaca acagccaaag cgacaaagca cag 33

<210> 1696

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1696

gcccaaggca tcaccaccaa cgcccacgca cag 33

<210> 1697

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1697

gcccaatcta gtactattaa tgggtatgca cag 33

<210> 1698

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1698

gcccaaaatc atacgcggat gaatgaggca cag 33

<210> 1699

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1699

gcccaaggca accaacaaaa aaacctcgca cag 33

<210> 1700

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1700

gcccaaggta cgagtgatcg gcagcaggca cag 33

<210> 1701

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1701

gcccaaagcg acagcgaata caaacccgca cag 33

<210> 1702

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1702

gcccaaacgg ctgcgcatgt tagttatgca cag 33

<210> 1703

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1703

gcccaaatgg ccaccaccca cgccgccgca cag 33

<210> 1704

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1704

gcccaaaaca gcgtcagaca aagcctcgca cag 33

<210> 1705

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1705

gcccaatcgg gtagtggtgt tagtagtgca cag 33

<210> 1706

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1706

gcccaaccca ccaccagaat caccgacgca cag 33

<210> 1707

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1707

gcccaaagtc atgaggcgaa gaatcctgca cag 33

<210> 1708

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1708

gcccaaccgt atagtactgc tgatcgggca cag 33

<210> 1709

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1709

gcccaaatgc tcagcaacac caaccacgca cag 33

<210> 1710

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1710

gcccaaagcc tcggcctcgg cggcagcgca cag 33

<210> 1711

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1711

gcccaaaacg ccatgaacat gcccgtcgca cag 33

<210> 1712

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1712

gcccaaatgc ttgggcatat tgcgaatgca cag 33

<210> 1713

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1713

gcccaaaaag gccaaaccgt cagcgaagca cag 33

<210> 1714

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1714

gcccaaatgg ataatcgtaa taattgggca cag 33

<210> 1715

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1715

gcccaactgt tgcataggaa tgatgttgca cag 33

<210> 1716

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1716

gcccaagcta atctggtttc ggcgaaggca cag 33

<210> 1717

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1717

gcccaaagtc tgacgaggga tctgaaggca cag 33

<210> 1718

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1718

gcccaaggtg ggcagattgt gtcgcgtgca cag 33

<210> 1719

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1719

gcccaaaatt atactcctga taagagggca cag 33

<210> 1720

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1720

gcccaactct acgccaacca ccacagcgca cag 33

<210> 1721

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1721

gcccaagaga gtgtggctgg gcatatggca cag 33

<210> 1722

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1722

gcccaagagc ctcgtcagga tgcgcatgca cag 33

<210> 1723

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1723

gcccaaagcg tcggcggcac cacccaagca cag 33

<210> 1724

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1724

gcccaacaac ccgccatgtt caacggcgca cag 33

<210> 1725

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1725

gcccaagtca aacaaaccgt catgagcgca cag 33

<210> 1726

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1726

gcccaacttt atgagcaggc ttctaaggca cag 33

<210> 1727

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1727

gcccaaatta atgcggcgat tgctctggca cag 33

<210> 1728

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1728

gcccaactcg aactcagcca cagcagagca cag 33

<210> 1729

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1729

gcccaaagtg tgaagagtat tatgaatgca cag 33

<210> 1730

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1730

gcccaagtgc cgaatcgtga gcctaaggca cag 33

<210> 1731

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1731

gcccaaattg cttctttgct gtcgcgtgca cag 33

<210> 1732

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1732

gcccaagcca acaacgtcgc cgacagagca cag 33

<210> 1733

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1733

gcccaaagcg tcgacagagc cgaaagagca cag 33

<210> 1734

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1734

gcccaagtcc tcgccgacag agtccccgca cag 33

<210> 1735

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1735

gcccaacgga ctgattcgtc tcatccggca cag 33

<210> 1736

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1736

gcccaaattc ttggtactgg tgggcaggca cag 33

<210> 1737

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1737

gcccaatcta ctgcgcaggc tagttatgca cag 33

<210> 1738

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1738

gcccaagtcg gccccatcaa caccgtcgca cag 33

<210> 1739

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1739

gcccaacaaa ccaacaacac cgtcagagca cag 33

<210> 1740

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1740

gcccaaggca acgccgtcag aagcaccgca cag 33

<210> 1741

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1741

gcccaacaga atttgactaa gggtcaggca cag 33

<210> 1742

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1742

gcccaaaaac aactcagcaa agactacgca cag 33

<210> 1743

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1743

gcccaaatgg ttcagaatgg tctgattgca cag 33

<210> 1744

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1744

gcccaaatcg tcgaacacat gcccctcgca cag 33

<210> 1745

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1745

gcccaatacg acaccaccag catcttcgca cag 33

<210> 1746

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1746

gcccaaaata gtatttcgtc ttcggctgca cag 33

<210> 1747

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1747

gcccaaggcg gcaacaacag cctccacgca cag 33

<210> 1748

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1748

gcccaaattt ctggtgcgtc tcttatggca cag 33

<210> 1749

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1749

gcccaagcta ctctttcgag gaatgttgca cag 33

<210> 1750

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1750

gcccaactgg ctaataatgt tccgcttgca cag 33

<210> 1751

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1751

gcccaatgga gcgaccccag cgacctcgca cag 33

<210> 1752

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1752

gcccaaagca gcctcaccga ccaacccgca cag 33

<210> 1753

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1753

gcccaatacg tccccgacca caccagagca cag 33

<210> 1754

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1754

gcccaaaata atacggaggg taaggcggca cag 33

<210> 1755

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1755

gcccaaggta atagtgttag gttgattgca cag 33

<210> 1756

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1756

gcccaaattg cgcagtcgaa tactcttgca cag 33

<210> 1757

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1757

gcccaacacg acaacgccac caaatacgca cag 33

<210> 1758

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1758

gcccaaacta aggctaatga gatgcaggca cag 33

<210> 1759

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1759

gcccaatatt tgggtacggt tgttgcggca cag 33

<210> 1760

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1760

gcccaacctt cgattgagct taagcctgca cag 33

<210> 1761

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1761

gcccaagctg cggggaatgt tcttatggca cag 33

<210> 1762

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1762

gcccaaacgt ctgtggctaa tttgcgtgca cag 33

<210> 1763

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1763

gcccaatttt cgcgtgagcc gaagcctgca cag 33

<210> 1764

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1764

gcccaaaccc ccagagaaaa ctggggcgca cag 33

<210> 1765

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1765

gcccaatcgc agaatgttgg tactaaggca cag 33

<210> 1766

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1766

gcccaatatc tggataaggg gaggactgca cag 33

<210> 1767

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1767

gcccaaacga gtacgacgcc ttttcttgca cag 33

<210> 1768

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1768

gcccaacggc aggataatct ggagctggca cag 33

<210> 1769

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1769

gcccaaatca gcgacagcag agtccacgca cag 33

<210> 1770

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1770

gcccaaagtc agagtagtca ttataaggca cag 33

<210> 1771

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1771

gcccaattga atcgggtggt ttcgcaggca cag 33

<210> 1772

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1772

gcccaaatgg ccctcgacaa cagcagagca cag 33

<210> 1773

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1773

gcccaactca tccaaagcat ggccaaagca cag 33

<210> 1774

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1774

gcccaagcgg gtgagcctaa ttctagggca cag 33

<210> 1775

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1775

gcccaaagta atcagtctac tgttcgggca cag 33

<210> 1776

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1776

gcccaaacca gcaacctcag cgaaagagca cag 33

<210> 1777

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1777

gcccaatcga attctacttc tcgtgctgca cag 33

<210> 1778

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1778

gcccaaatgc agcagcagtt tccttcggca cag 33

<210> 1779

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1779

gcccaattca acaccctcgc cgaagtcgca cag 33

<210> 1780

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1780

gcccaaccgg gggttacggt tattagtgca cag 33

<210> 1781

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1781

gcccaactcc aaaacgtcca cgacagcgca cag 33

<210> 1782

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1782

gcccaaaatt cggttattgg tgggtcggca cag 33

<210> 1783

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1783

gcccaaaacg aaggcgtcag acccctcgca cag 33

<210> 1784

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1784

gcccaatcgg tgaatcctag tgtggttgca cag 33

<210> 1785

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1785

gcccaaatga gtacgacgtc tgaggatgca cag 33

<210> 1786

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1786

gcccaaattc atagtgggct tccgaaggca cag 33

<210> 1787

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1787

gcccaaggta tgaatggtta tccgaaggca cag 33

<210> 1788

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1788

gcccaaagta ttcgggattc tgtgaaggca cag 33

<210> 1789

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1789

gcccaaatgc ttaagccgga taatgttgca cag 33

<210> 1790

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1790

gcccaagctt ttacgtcgtc tcttggggca cag 33

<210> 1791

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1791

gcccaaatgc tggataagtc ttcgtcggca cag 33

<210> 1792

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1792

gcccaaaaga ctcagaatac tcagatggca cag 33

<210> 1793

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1793

gcccaaggga ctactagttc gatggctgca cag 33

<210> 1794

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1794

gcccaaggca gcgccgccag ccaagccgca cag 33

<210> 1795

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1795

gcccaagccc acagcaacat cgacagcgca cag 33

<210> 1796

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1796

gcccaaggca gcgccagcag cctcctcgca cag 33

<210> 1797

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1797

gcccaattga gtcctaattc tagttttgca cag 33

<210> 1798

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1798

gcccaagggc attctgttac tccgtctgca cag 33

<210> 1799

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1799

gcccaaaaag gcggcaacag catcgacgca cag 33

<210> 1800

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1800

gcccaactcg gccccagccc cagcgccgca cag 33

<210> 1801

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1801

gcccaacagc tgcctatgct taatgctgca cag 33

<210> 1802

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1802

gcccaagcta cgaatattct tactgcggca cag 33

<210> 1803

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1803

gcccaactca tgcaaaacgg ccaaaaagca cag 33

<210> 1804

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1804

gcccaacata ataatgggca ggctttggca cag 33

<210> 1805

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1805

gcccaatcta ttactcagac tctttctgca cag 33

<210> 1806

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1806

gcccaaggga ataggattag taatacggca cag 33

<210> 1807

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1807

gcccaaggtc ctcagaatga tccgccggca cag 33

<210> 1808

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1808

gcccaaatca acggcatggg ccccaacgca cag 33

<210> 1809

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1809

gcccaaactg ggaatgcgca tcctaatgca cag 33

<210> 1810

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1810

gcccaatatg ctgtgaatct gaataatgca cag 33

<210> 1811

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1811

gcccaagcgt tgatttctaa tagtacggca cag 33

<210> 1812

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1812

gcccaatctc atgtttctac tactatggca cag 33

<210> 1813

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1813

gcccaactgg atgattttgt gaggccggca cag 33

<210> 1814

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1814

gcccaaaata atactgcgcg gtctgttgca cag 33

<210> 1815

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1815

gcccaaaaca aataccccca acccagcgca cag 33

<210> 1816

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1816

gcccaatatg cgtcggagtt gtttgttgca cag 33

<210> 1817

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1817

gcccaattct acaccgccaa cgccagcgca cag 33

<210> 1818

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1818

gcccaattta cgaagtcgaa tgcgactgca cag 33

<210> 1819

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1819

gcccaactcg ccgtcagcca aatgagagca cag 33

<210> 1820

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1820

gcccaaagga atggtcagct gattgtggca cag 33

<210> 1821

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1821

gcccaagaca ccgccaacac cgccagagca cag 33

<210> 1822

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1822

gcccaaaaac ccaccgaagt ccaacacgca cag 33

<210> 1823

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1823

gcccaactta ctaatgcggc gacttatgca cag 33

<210> 1824

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1824

gcccaaatca gcaacgtcca agccaacgca cag 33

<210> 1825

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1825

gcccaagaga gtcgtaataa tgggtttgca cag 33

<210> 1826

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1826

gcccaaagca ccggccccac catgcacgca cag 33

<210> 1827

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1827

gcccaaacgc ctggtgagtc gcataaggca cag 33

<210> 1828

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1828

gcccaaagcg tcagcatcgc cagcagcgca cag 33

<210> 1829

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1829

gcccaaaatg gtgttacgca gtctaaggca cag 33

<210> 1830

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1830

gcccaagcta agaatacgta tgcttctgca cag 33

<210> 1831

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1831

gcccaaggta cttcggatgg tcatagggca cag 33

<210> 1832

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1832

gcccaatggt ctcagaataa ggggtatgca cag 33

<210> 1833

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1833

gcccaaggtc agttggcgcg gtctgttgca cag 33

<210> 1834

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1834

gcccaaatcg gcggcggcgc ccaaaaagca cag 33

<210> 1835

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1835

gcccaagccg gcaacgccag ccacaccgca cag 33

<210> 1836

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1836

gcccaattca accaagtcgg caaaatggca cag 33

<210> 1837

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1837

gcccaaacga gggatactct gtataaggca cag 33

<210> 1838

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1838

gcccaaaacg gcagccccag ctacaacgca cag 33

<210> 1839

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1839

gcccaattgg ctgaggcgca tgctcgtgca cag 33

<210> 1840

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1840

gcccaaccta tgtctaattc ggagcgtgca cag 33

<210> 1841

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1841

gcccaacacg tcaccagcct caacgacgca cag 33

<210> 1842

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1842

gcccaagggg ctccgcatgt ttcgagggca cag 33

<210> 1843

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1843

gcccaaaata ctaatgggaa tagtgcggca cag 33

<210> 1844

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1844

gcccaaaacg aactcaccgg catgctcgca cag 33

<210> 1845

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1845

gcccaaagtt ctcttttgcc tgctgctgca cag 33

<210> 1846

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1846

gcccaaccgg ttggtcagtc gttgactgca cag 33

<210> 1847

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1847

gcccaattga ctgctgcgaa gggtcttgca cag 33

<210> 1848

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1848

gcccaactga ttgggcggct gacttctgca cag 33

<210> 1849

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1849

gcccaagcta agcataatga taatattgca cag 33

<210> 1850

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1850

gcccaattgc gtagtggtga tgagatggca cag 33

<210> 1851

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1851

gcccaacccc aaaacagcac caccgccgca cag 33

<210> 1852

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1852

gcccaactgg ctactgggcc tctttttgca cag 33

<210> 1853

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1853

gcccaagcgt ctgctgtgag tcagaaggca cag 33

<210> 1854

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1854

gcccaagcgc ctgttagttc tgcgttggca cag 33

<210> 1855

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1855

gcccaaacga tgccgagtct ggatagtgca cag 33

<210> 1856

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1856

gcccaacata tgaattttcc gaatccggca cag 33

<210> 1857

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1857

gcccaagcgt ctgcgaggat ggatgcggca cag 33

<210> 1858

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1858

gcccaaaccg tcatcgtcgg cggcagagca cag 33

<210> 1859

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1859

gcccaaagta gtcagagtca gactgttgca cag 33

<210> 1860

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1860

gcccaaatca acaccaccag ccaaaaagca cag 33

<210> 1861

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1861

gcccaagctg gggcgcgtgt tacggaggca cag 33

<210> 1862

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1862

gcccaacccg ccccccacag cggcagcgca cag 33

<210> 1863

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1863

gcccaactca acgtcatgta caaccccgca cag 33

<210> 1864

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1864

gcccaagggc atgctcagac tctttatgca cag 33

<210> 1865

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1865

gcccaaactc ctaatctgtc tactcatgca cag 33

<210> 1866

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1866

gcccaaagcg ccgaaagaac caacgtcgca cag 33

<210> 1867

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1867

gcccaaaaca acctcagacc cgtctacgca cag 33

<210> 1868

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1868

gcccaaaatc agcagtctgc ttatacggca cag 33

<210> 1869

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1869

gcccaagtcg tcgacggcaa aacccaagca cag 33

<210> 1870

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1870

gcccaacccc tcccccaaca actcgacgca cag 33

<210> 1871

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1871

gcccaagtcg ccgaaatcgt ccaactcgca cag 33

<210> 1872

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1872

gcccaagaca gaaacaccac cgtcagagca cag 33

<210> 1873

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1873

gcccaaaata tgatgaagac ggggatggca cag 33

<210> 1874

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1874

gcccaagtcc aattcaacac cagcaaagca cag 33

<210> 1875

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1875

gcccaacctg ggaatgctag tattcgtgca cag 33

<210> 1876

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1876

gcccaactcg gcggcatcct cagcgccgca cag 33

<210> 1877

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1877

gcccaacaga cggatcattc gcatcttgca cag 33

<210> 1878

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1878

gcccaaacgc tgcatgctga gtttagtgca cag 33

<210> 1879

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1879

gcccaactgt cggatcgtct gaatgcggca cag 33

<210> 1880

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1880

gcccaactga atgagcgtat tggtggggca cag 33

<210> 1881

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1881

gcccaaactt tgaattcgac ggcgtcggca cag 33

<210> 1882

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1882

gcccaatctg ggcgggttgt tgcgcaggca cag 33

<210> 1883

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1883

gcccaaaata atcgtacgac taataatgca cag 33

<210> 1884

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1884

gcccaaaacg tccccagcag cacctacgca cag 33

<210> 1885

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1885

gcccaagtcc ccagcaccgc cctcaaagca cag 33

<210> 1886

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1886

gcccaacctc ctaatactca gagtctggca cag 33

<210> 1887

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1887

gcccaaacga atacgacgcg ggcgatggca cag 33

<210> 1888

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1888

gcccaaagca acagaaccgt cagagaagca cag 33

<210> 1889

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1889

gcccaagctt cgactcagat tatgagggca cag 33

<210> 1890

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1890

gcccaaacgg tgattagttc tagtcgtgca cag 33

<210> 1891

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1891

gcccaagtct acagccccca aggcaccgca cag 33

<210> 1892

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1892

gcccaaggca gccccaccca aagcatggca cag 33

<210> 1893

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1893

gcccaagcgg tgtcgtcgga ggctcgtgca cag 33

<210> 1894

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1894

gcccaaggtt cggttgcgac tcttactgca cag 33

<210> 1895

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1895

gcccaaagcg ccaacaccgg caccggcgca cag 33

<210> 1896

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1896

gcccaaattg ttcaggggac tagtatggca cag 33

<210> 1897

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1897

gcccaaactc cttcgcttgg tgttcttgca cag 33

<210> 1898

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1898

gcccaaccca acatgatggg cagcagcgca cag 33

<210> 1899

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1899

gcccaactca cccaaagccc cgcccccgca cag 33

<210> 1900

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1900

gcccaaaaag gcagcaacag caccctcgca cag 33

<210> 1901

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1901

gcccaaccca tggccgccgc ccccagagca cag 33

<210> 1902

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1902

gcccaagtta cgacgggtcc gagtcgtgca cag 33

<210> 1903

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1903

gcccaagtcg tcagcccccc cagctacgca cag 33

<210> 1904

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1904

gcccaagtga cgggttctgt gcagaaggca cag 33

<210> 1905

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1905

gcccaaggcg gcaccaccgt ccaaaccgca cag 33

<210> 1906

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1906

gcccaaaaca gcgcccaaat caacatggca cag 33

<210> 1907

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1907

gcccaacccg gcacccaaaa acccaccgca cag 33

<210> 1908

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1908

gcccaaggga aggctagtca ttatcctgca cag 33

<210> 1909

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1909

gcccaatata atagtgttcc gtcggcggca cag 33

<210> 1910

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1910

gcccaagttt atgagcgggt ttctcatgca cag 33

<210> 1911

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1911

gcccaagatg tgaataatag gtctatggca cag 33

<210> 1912

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1912

gcccaacctc atgcggtttc tatgcttgca cag 33

<210> 1913

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1913

gcccaaggga tgcctgctcc tcttggtgca cag 33

<210> 1914

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1914

gcccaacagc ttcagattaa tccggctgca cag 33

<210> 1915

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1915

gcccaaacta tggatctgtc gccgccggca cag 33

<210> 1916

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1916

gcccaaacca ccgacctcca cgccaaagca cag 33

<210> 1917

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1917

gcccaacacc acaccaccca aaccaccgca cag 33

<210> 1918

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1918

gcccaaccga gttctaattc tactaatgca cag 33

<210> 1919

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1919

gcccaaacca gatacaacgt cgaccccgca cag 33

<210> 1920

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1920

gcccaaagcg tcgtcagcct cagccccgca cag 33

<210> 1921

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1921

gcccaagaaa aagtcgacca actcagagca cag 33

<210> 1922

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1922

gcccaaagcg acagcagaca aaccctcgca cag 33

<210> 1923

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1923

gcccaaactt atcctgctac gagtgatgca cag 33

<210> 1924

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1924

gcccaaagca tgaacgtcgg cagcgccgca cag 33

<210> 1925

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1925

gcccaacttg agtctagtaa tgctattgca cag 33

<210> 1926

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1926

gcccaatctc cgacgaatca tgctcctgca cag 33

<210> 1927

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1927

gcccaagcgc atgaggggat ggttaaggca cag 33

<210> 1928

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1928

gcccaagttg atactttgtt gtcgaaggca cag 33

<210> 1929

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1929

gcccaaaccg ccggccaact cacctgggca cag 33

<210> 1930

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1930

gcccaaatgg gcatggacgg ccaaatcgca cag 33

<210> 1931

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1931

gcccaagagc tggagaatgg tcgtcgtgca cag 33

<210> 1932

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1932

gcccaactcg acctcagcgt cagcagagca cag 33

<210> 1933

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1933

gcccaatctc agcatccgaa tatgacggca cag 33

<210> 1934

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1934

gcccaatatc atgaggtgtc ggagcatgca cag 33

<210> 1935

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1935

gcccaaatgc ggtcgccgcc tcctacggca cag 33

<210> 1936

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1936

gcccaaggta gtggtagttc gacgattgca cag 33

<210> 1937

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1937

gcccaaggtg gtgatgctgg gaggtgggca cag 33

<210> 1938

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1938

gcccaaaagg ctgaggcgat ggttattgca cag 33

<210> 1939

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1939

gcccaagcca acaaagacct cggcgtcgca cag 33

<210> 1940

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1940

gcccaaacgt cgtcggagaa taggactgca cag 33

<210> 1941

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1941

gcccaaggcc ccgacagaac cgccgccgca cag 33

<210> 1942

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1942

gcccaaggca gcaccgtcgt ccacctcgca cag 33

<210> 1943

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1943

gcccaaactg cggtggtggt gcctcaggca cag 33

<210> 1944

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1944

gcccaagcgg ttaatattgc taatgcggca cag 33

<210> 1945

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1945

gcccaattgc tgtctcagag tggggtggca cag 33

<210> 1946

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1946

gcccaacaca ccggcgaagg caaactcgca cag 33

<210> 1947

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1947

gcccaaagca acggcaacaa catcagagca cag 33

<210> 1948

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1948

gcccaagaag tcaccctcat gcacaaagca cag 33

<210> 1949

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1949

gcccaactta ctactacggg gagtaatgca cag 33

<210> 1950

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1950

gcccaagaca tcagcggcaa aatcgccgca cag 33

<210> 1951

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1951

gcccaaattt cgccgaatgt ttatagtgca cag 33

<210> 1952

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1952

gcccaatata ataagcttgt tgatggtgca cag 33

<210> 1953

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1953

gcccaatttc atacgcatcc tacgagtgca cag 33

<210> 1954

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1954

gcccaaccta ctctggaggc tacgagtgca cag 33

<210> 1955

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1955

gcccaagaac tcggcagaaa cggccccgca cag 33

<210> 1956

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1956

gcccaagtcg acaaagtcga aagactcgca cag 33

<210> 1957

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1957

gcccaaacca ccaccatgac ccccagagca cag 33

<210> 1958

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1958

gcccaactcc aacaaatccc cacccccgca cag 33

<210> 1959

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1959

gcccaaaccg acagcaacag cctccaagca cag 33

<210> 1960

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1960

gcccaagacg acagaagcgt cagattcgca cag 33

<210> 1961

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1961

gcccaacttg ctactcagaa tgcttcggca cag 33

<210> 1962

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1962

gcccaagtcg gcacccacat ccacagcgca cag 33

<210> 1963

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1963

gcccaaagcg aaagaagcag cgtcaaagca cag 33

<210> 1964

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1964

gcccaaggct acgcccacag catgatcgca cag 33

<210> 1965

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1965

gcccaaccgt tgagtggggg tgttcgtgca cag 33

<210> 1966

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1966

gcccaactca cctacgtcgc cagcagcgca cag 33

<210> 1967

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1967

gcccaagtcg acaaaaccct cagcagagca cag 33

<210> 1968

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1968

gcccaaccca acctcgtcgg cgtccccgca cag 33

<210> 1969

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1969

gcccaaacca aaatcgacac cgtcagagca cag 33

<210> 1970

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1970

gcccaaagcg gcggcaccca agccagagca cag 33

<210> 1971

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1971

gcccaacata gtacgccgct ggtgtcggca cag 33

<210> 1972

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1972

gcccaacatt cggggacgaa tcttcgtgca cag 33

<210> 1973

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1973

gcccaagcgc agcctaggct ggtgactgca cag 33

<210> 1974

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1974

gcccaacctc ttggtgcgca tggttcggca cag 33

<210> 1975

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1975

gcccaaatca gcgacgccag cgtcctcgca cag 33

<210> 1976

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1976

gcccaaatga gcgtcggcgt caaaaccgca cag 33

<210> 1977

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1977

gcccaaaaca tcgccgaagg cctcagcgca cag 33

<210> 1978

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1978

gcccaatcgt cgaattctga tgggattgca cag 33

<210> 1979

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1979

gcccaagtcg gccaaaccac caacagcgca cag 33

<210> 1980

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1980

gcccaagagt cgaagcggcc ttttcttgca cag 33

<210> 1981

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1981

gcccaaagtc aggagaatag tcgtactgca cag 33

<210> 1982

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1982

gcccaaaata ctgggactga tcatccggca cag 33

<210> 1983

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1983

gcccaaggga attgggttaa ggatattgca cag 33

<210> 1984

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1984

gcccaaagac tcaccgaaac cgtcaccgca cag 33

<210> 1985

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1985

gcccaaggcg aaatcggcgt cctctacgca cag 33

<210> 1986

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1986

gcccaactgg ctccggagcc gcttaaggca cag 33

<210> 1987

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1987

gcccaaaaca aactcccccc cgccctcgca cag 33

<210> 1988

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1988

gcccaaaata ttgggactcg ggatgcggca cag 33

<210> 1989

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1989

gcccaaaccg tcagagaact ccaacccgca cag 33

<210> 1990

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1990

gcccaagaga atcatggtac gactagtgca cag 33

<210> 1991

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1991

gcccaacaca ccgacagaaa ctacgtcgca cag 33

<210> 1992

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1992

gcccaaactg ttggtccgac gtctcatgca cag 33

<210> 1993

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1993

gcccaaggcc tcgtcaaaga ccaccccgca cag 33

<210> 1994

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1994

gcccaaatca acgccctcac caacggcgca cag 33

<210> 1995

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1995

gcccaacccc tcgacagcaa cagagacgca cag 33

<210> 1996

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1996

gcccaactta aggtgacgaa gattgatgca cag 33

<210> 1997

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1997

gcccaacata atagtaatcc tgggttggca cag 33

<210> 1998

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1998

gcccaaacca ccgtcatcct caaaaccgca cag 33

<210> 1999

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 1999

gcccaacttg gtaagggtat gactgcggca cag 33

<210> 2000

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2000

gcccaattca gcatcagcga cctcaaagca cag 33

<210> 2001

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2001

gcccaaagta cggatactca tcttcctgca cag 33

<210> 2002

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2002

gcccaattga atgctgttaa gaatgttgca cag 33

<210> 2003

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2003

gcccaacgtt cgactccgaa tacgattgca cag 33

<210> 2004

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2004

gcccaattga gtattaagtt gcagaatgca cag 33

<210> 2005

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2005

gcccaaagtc ttgcgattac tagtagtgca cag 33

<210> 2006

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2006

gcccaacggc aggatattac tattgctgca cag 33

<210> 2007

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2007

gcccaaggta atgctacgcc tcggtctgca cag 33

<210> 2008

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2008

gcccaaagcc tcgtcggcac caccagcgca cag 33

<210> 2009

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2009

gcccaatggc agactcagga taaggaggca cag 33

<210> 2010

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2010

gcccaaacgc ctaatgtgcc gtctccggca cag 33

<210> 2011

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2011

gcccaaatta atactattag tccgaaggca cag 33

<210> 2012

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2012

gcccaacccc tcggcaccag caacaccgca cag 33

<210> 2013

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2013

gcccaaagcc aagtcaacgg cggcaaagca cag 33

<210> 2014

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2014

gcccaaccga ttaatgataa ggtgatggca cag 33

<210> 2015

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2015

gcccaaaacg tcagcagcag catcctcgca cag 33

<210> 2016

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2016

gcccaacagg cgaattggac tgcgtctgca cag 33

<210> 2017

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2017

gcccaaagac ccgaaaacca cagcagcgca cag 33

<210> 2018

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2018

gcccaaacta ggaatttgga tgttcatgca cag 33

<210> 2019

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2019

gcccaaatta atagttcgtt ttctaaggca cag 33

<210> 2020

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2020

gcccaatcta ttcaggggtc tcagcgggca cag 33

<210> 2021

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2021

gcccaagttg tggcggttgg tcagtttgca cag 33

<210> 2022

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2022

gcccaagtca acaaagtcag agacgtcgca cag 33

<210> 2023

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2023

gcccaaaagc ctaatgctca gattcaggca cag 33

<210> 2024

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2024

gcccaaatgt ctattggtac gggttcggca cag 33

<210> 2025

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2025

gcccaagggc tgcaggcgac gtattctgca cag 33

<210> 2026

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2026

gcccaacaaa ccctcagcgc cagcagcgca cag 33

<210> 2027

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2027

gcccaagacc cccccaacaa attccccgca cag 33

<210> 2028

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2028

gcccaaagaa tcagcaccct cggcctcgca cag 33

<210> 2029

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2029

gcccaaaatt cggatcgttc ggttagtgca cag 33

<210> 2030

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2030

gcccaatata atctgcgtct tgggggggca cag 33

<210> 2031

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2031

gcccaagttc aggatcgggc gatgactgca cag 33

<210> 2032

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2032

gcccaaagca gcagcaccct ccccagagca cag 33

<210> 2033

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2033

gcccaaggcg gcgtccaaac cgacagcgca cag 33

<210> 2034

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2034

gcccaattgt tgtctaataa tactcgggca cag 33

<210> 2035

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2035

gcccaatatc atgctgctca ggctgttgca cag 33

<210> 2036

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2036

gcccaaatga gtggtgtggg tagttcggca cag 33

<210> 2037

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2037

gcccaactca ccggccaagt cctcgtcgca cag 33

<210> 2038

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2038

gcccaagcgg ttaataggct gcctattgca cag 33

<210> 2039

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2039

gcccaaagtt ctcagatgcc gttgcgggca cag 33

<210> 2040

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2040

gcccaaagca gcaacatcgc cgacagcgca cag 33

<210> 2041

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2041

gcccaagttg ttacgccgca gattagtgca cag 33

<210> 2042

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2042

gcccaagatt ctaagaagat gagttgggca cag 33

<210> 2043

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2043

gcccaagaga cgtataagac tactctggca cag 33

<210> 2044

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2044

gcccaactta ctatgggtaa ttctctggca cag 33

<210> 2045

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2045

gcccaattta aggttagtat tcagcaggca cag 33

<210> 2046

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2046

gcccaagatg gtcatgctca tcttccggca cag 33

<210> 2047

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2047

gcccaaaccg ccgtcagcct cagcaacgca cag 33

<210> 2048

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2048

gcccaaagcc aaaaccaaat gcaaaccgca cag 33

<210> 2049

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2049

gcccaacaga gtgtgactac gcagcatgca cag 33

<210> 2050

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2050

gcccaactca gcaccgccct caccgtcgca cag 33

<210> 2051

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2051

gcccaactcg ccaacgccgt caccaaagca cag 33

<210> 2052

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2052

gcccaaaccg gccacgtcca cgaaaacgca cag 33

<210> 2053

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2053

gcccaatcga tttcggatac ggcttctgca cag 33

<210> 2054

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2054

gcccaacccg tcgtccaaag cgtcggcgca cag 33

<210> 2055

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2055

gcccaacaac acctcagcac cgtcaacgca cag 33

<210> 2056

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2056

gcccaactga gtcataatac gacgcatgca cag 33

<210> 2057

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2057

gcccaacctt cgaatttttc gaattctgca cag 33

<210> 2058

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2058

gcccaatttg ataagtctgt tcctagtgca cag 33

<210> 2059

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2059

gcccaaaccc aagccaccga aaaagacgca cag 33

<210> 2060

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2060

gcccaattga gtgcgaaggc tagtcaggca cag 33

<210> 2061

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2061

gcccaatcgg ttcagcctgc ggtgtcggca cag 33

<210> 2062

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2062

gcccaaagtt tgatgcatgg gacgcctgca cag 33

<210> 2063

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2063

gcccaaccca ccatcagaac caacaccgca cag 33

<210> 2064

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2064

gcccaaaatg attcgcttaa ggttaatgca cag 33

<210> 2065

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2065

gcccaaagca cccaacccgt caacagagca cag 33

<210> 2066

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2066

gcccaatctt cggataagca taatcctgca cag 33

<210> 2067

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2067

gcccaattcc tcgaaaacgc caaaatcgca cag 33

<210> 2068

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2068

gcccaagtgt ctactggtac tcttaaggca cag 33

<210> 2069

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2069

gcccaacgtg atgcgtcttt gagtactgca cag 33

<210> 2070

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2070

gcccaaaagg gtactgagat taagcttgca cag 33

<210> 2071

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2071

gcccaaatta tgaatcagct gggtgatgca cag 33

<210> 2072

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2072

gcccaaccta gtaataatac tcagattgca cag 33

<210> 2073

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2073

gcccaaactt cgagtagtat tacgactgca cag 33

<210> 2074

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2074

gcccaaaggg atctgaatgc gcataatgca cag 33

<210> 2075

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2075

gcccaaaccg gcttcgccag aagcgaagca cag 33

<210> 2076

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2076

gcccaactcg aacaactcgc ccccaaagca cag 33

<210> 2077

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2077

gcccaagccg ccatgcaaag cgaaagagca cag 33

<210> 2078

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2078

gcccaacagc ttaattatga ggcgcatgca cag 33

<210> 2079

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2079

gcccaagcca accccggcag cctcctcgca cag 33

<210> 2080

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2080

gcccaactta ggcatattga gacgcctgca cag 33

<210> 2081

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2081

gcccaacttc ctcagaattc ggcgaaggca cag 33

<210> 2082

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2082

gcccaagccg gcagccccat cagcagagca cag 33

<210> 2083

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2083

gcccaaagag ccaccaacgt cgaagtcgca cag 33

<210> 2084

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2084

gcccaacccc aacccaacaa cagaggcgca cag 33

<210> 2085

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2085

gcccaatctc cttcgacgcc tcatcttgca cag 33

<210> 2086

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2086

gcccaacttt cgaatacttt gactaatgca cag 33

<210> 2087

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2087

gcccaatcga atagggaggg tttgatggca cag 33

<210> 2088

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2088

gcccaagtcg cccacagccc ccccagcgca cag 33

<210> 2089

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2089

gcccaaagcg tcaaaaacat gctcaccgca cag 33

<210> 2090

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2090

gcccaagggc tttcgactgg tcttgctgca cag 33

<210> 2091

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2091

gcccaagcca tgagcagacc cgaactcgca cag 33

<210> 2092

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2092

gcccaagcca tggacctcaa actccaagca cag 33

<210> 2093

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2093

gcccaagccg tcgccggccc caccaaagca cag 33

<210> 2094

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2094

gcccaaccta ctcttgggtc gcgtactgca cag 33

<210> 2095

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2095

gcccaaagtg agaatcctat tgatccggca cag 33

<210> 2096

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2096

gcccaaacca acaacagccc cggcaccgca cag 33

<210> 2097

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2097

gcccaacaca ccagccccac cagcctcgca cag 33

<210> 2098

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2098

gcccaaaaca acgccggcat cagcatggca cag 33

<210> 2099

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2099

gcccaactcg tctacagcaa caacaccgca cag 33

<210> 2100

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2100

gcccaaccgg cgagtcagtc tacgactgca cag 33

<210> 2101

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2101

gcccaagttc aggttgggca tcctcttgca cag 33

<210> 2102

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2102

gcccaagacg ccagctacac cggcaccgca cag 33

<210> 2103

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2103

gcccaaggga ttactactga ggcgcgggca cag 33

<210> 2104

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2104

gcccaatcta tgcctcagca tgctattgca cag 33

<210> 2105

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2105

gcccaactcc aaagcgccct ccaaaacgca cag 33

<210> 2106

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2106

gcccaaaaaa gcagcgacag caccagcgca cag 33

<210> 2107

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2107

gcccaaaaaa gccccgccgg cgccctcgca cag 33

<210> 2108

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2108

gcccaaaccg aaatgagcct caccagcgca cag 33

<210> 2109

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2109

gcccaattga atagtgagac ttttcctgca cag 33

<210> 2110

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2110

gcccaaagcg ccctcagcca acaatacgca cag 33

<210> 2111

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2111

gcccaacgtt cggtggctaa tgtgccggca cag 33

<210> 2112

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2112

gcccaaagca gcggcgccac cctccaagca cag 33

<210> 2113

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2113

gcccaactca acggcggcgc cgccagcgca cag 33

<210> 2114

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2114

gcccaaagcc accaaaccac ccccaccgca cag 33

<210> 2115

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2115

gcccaatatg agaatagtag tagtttggca cag 33

<210> 2116

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2116

gcccaaattc agacttctgc tcatactgca cag 33

<210> 2117

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2117

gcccaaagag aaatccaaaa aatgagcgca cag 33

<210> 2118

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2118

gcccaaagcg ccggcatgat cagccacgca cag 33

<210> 2119

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2119

gcccaaatga gaagcaccga cagcgaagca cag 33

<210> 2120

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2120

gcccaaagcc acccccaagg cgacagcgca cag 33

<210> 2121

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2121

gcccaactca tcgacaccaa aatcagcgca cag 33

<210> 2122

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2122

gcccaaaccc acctcaaaga cctcctcgca cag 33

<210> 2123

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2123

gcccaaggta cttcgagtgt gctgattgca cag 33

<210> 2124

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2124

gcccaacctt tggttacgaa tgagcctgca cag 33

<210> 2125

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2125

gcccaaagag acctcagcca caacagcgca cag 33

<210> 2126

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2126

gcccaatatg ataatgagca taggccggca cag 33

<210> 2127

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2127

gcccaagttg ggagtcatac tatgacggca cag 33

<210> 2128

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2128

gcccaagggc atacgagtgt gtctctggca cag 33

<210> 2129

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2129

gcccaactcg acctcaaaaa ccaaagagca cag 33

<210> 2130

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2130

gcccaacccg tcgccaaaat caccagcgca cag 33

<210> 2131

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2131

gcccaacttg agaatgggaa gcctaaggca cag 33

<210> 2132

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2132

gcccaagacc tcgccagagc caccctcgca cag 33

<210> 2133

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2133

gcccaaaagg ttcgtgatga taagcctgca cag 33

<210> 2134

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2134

gcccaacaca acgtcgccat caccccgca cag 33

<210> 2135

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2135

gcccaaacct tcaacgccac ctacgccgca cag 33

<210> 2136

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2136

gcccaaggca gccaaggcac catcagagca cag 33

<210> 2137

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2137

gcccaaagcc tcggccacga cgccagagca cag 33

<210> 2138

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2138

gcccaacgta gtgggccgga ttcttctgca cag 33

<210> 2139

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2139

gcccaagcta tgaatcttca gaatttggca cag 33

<210> 2140

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2140

gcccaacttc gggctggtcc gggtgtggca cag 33

<210> 2141

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2141

gcccaaaccg tcatgagcag cagcagcgca cag 33

<210> 2142

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2142

gcccaacata cttctcctgt gggttatgca cag 33

<210> 2143

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2143

gcccaatgga cttctcaggc tacggcggca cag 33

<210> 2144

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2144

gcccaaacga tgaattctgt tcctcgtgca cag 33

<210> 2145

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2145

gcccaagtca acggcggcat ggtcaacgca cag 33

<210> 2146

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2146

gcccaaacta atgctaggat gaatactgca cag 33

<210> 2147

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2147

gcccaaatca gcggcaacat gcacagcgca cag 33

<210> 2148

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2148

gcccaaagcg tcggcggcgc cagcttcgca cag 33

<210> 2149

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2149

gcccaaacca gcgaaagccc ctacaaagca cag 33

<210> 2150

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2150

gcccaaggtc attttggtac tatgtcggca cag 33

<210> 2151

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2151

gcccaactta cgactagtgg tctgaaggca cag 33

<210> 2152

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2152

gcccaaagga ttaattcgtc tacgtatgca cag 33

<210> 2153

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2153

gcccaactga ctggtagttc gttgactgca cag 33

<210> 2154

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2154

gcccaaccga ttcggggtac tatttatgca cag 33

<210> 2155

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2155

gcccaaacca ccagcaacaa cacccacgca cag 33

<210> 2156

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2156

gcccaacagg tgactactaa tttggatgca cag 33

<210> 2157

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2157

gcccaagctt tggattctag tgagccggca cag 33

<210> 2158

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2158

gcccaatacc ccaaaaacgt cgcctgggca cag 33

<210> 2159

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2159

gcccaatcta ctactgggcg gaatctggca cag 33

<210> 2160

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2160

gcccaaacga agcttatgca gtctaatgca cag 33

<210> 2161

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2161

gcccaaaaca gctacggcga cgccgccgca cag 33

<210> 2162

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2162

gcccaagagc atacgggtgc gcctgctgca cag 33

<210> 2163

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2163

gcccaactgc ggactgagac ggcgaatgca cag 33

<210> 2164

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2164

gcccaagtcc tcgacgtcaa caccctcgca cag 33

<210> 2165

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2165

gcccaagaca gaggcaacga caaactcgca cag 33

<210> 2166

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2166

gcccaaagct tcaccaacag cacccacgca cag 33

<210> 2167

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2167

gcccaactcg cccacagcag cctcagcgca cag 33

<210> 2168

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2168

gcccaaagac tcgtcgaccc catccccgca cag 33

<210> 2169

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2169

gcccaatggg gcgacaaaga aaccttcgca cag 33

<210> 2170

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2170

gcccaaagag acgacaacct cagcaccgca cag 33

<210> 2171

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2171

gcccaatcta agcagttgat tgatactgca cag 33

<210> 2172

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2172

gcccaatttc agaatcagac tgttggtgca cag 33

<210> 2173

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2173

gcccaagtct tcagcagcga cagcctcgca cag 33

<210> 2174

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2174

gcccaatatg cgcagcagtt gcctgtggca cag 33

<210> 2175

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2175

gcccaaattg tgactggtac tacgcaggca cag 33

<210> 2176

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2176

gcccaaagca aaatcaccga aagcaacgca cag 33

<210> 2177

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2177

gcccaaattg ctgggcaggt gggggcggca cag 33

<210> 2178

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2178

gcccaaggtt atagtcagac gcctcatgca cag 33

<210> 2179

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2179

gcccaaggtt tggcgttgcg tcctgatgca cag 33

<210> 2180

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2180

gcccaaaacg ccgtcagcaa caacaccgca cag 33

<210> 2181

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2181

gcccaaaacc aaagcaccct ccccaccgca cag 33

<210> 2182

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2182

gcccaaacca gcatccccga caaacccgca cag 33

<210> 2183

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2183

gcccaaggca gcagcaccgc cagcctcgca cag 33

<210> 2184

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2184

gcccaaagaa tcatcggcac cgccaccgca cag 33

<210> 2185

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2185

gcccaaagtt tgaatggggg tcggacggca cag 33

<210> 2186

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2186

gcccaaccgg tgaagactgt tgggattgca cag 33

<210> 2187

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2187

gcccaacagc cgtctgcgat tccgaatgca cag 33

<210> 2188

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2188

gcccaattcg ccagcagcgt cagcgccgca cag 33

<210> 2189

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2189

gcccaagaag gcaacctcac caaactcgca cag 33

<210> 2190

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2190

gcccaattgg ggactaggac tacttctgca cag 33

<210> 2191

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2191

gcccaaactc atcgtgattt ttctcctgca cag 33

<210> 2192

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2192

gcccaaaccg gcgtcagcac cggcgtcgca cag 33

<210> 2193

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2193

gcccaagtgc cgaataattc gcagcgggca cag 33

<210> 2194

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2194

gcccaaatgc ccagcggcgt ccccgtcgca cag 33

<210> 2195

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2195

gcccaaaacg ccctccccag acccaacgca cag 33

<210> 2196

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2196

gcccaacgga cggatcattc tcagattgca cag 33

<210> 2197

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2197

gcccaacaaa ccctcaaaag cgcctacgca cag 33

<210> 2198

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2198

gcccaaaagg aggagcatac gcgggggca cag 33

<210> 2199

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2199

gcccaactcc ccgccgcccc cagatacgca cag 33

<210> 2200

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2200

gcccaactgg ataaggcgca ttttgctgca cag 33

<210> 2201

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2201

gcccaacacg ccatcgacgc cgtcaaagca cag 33

<210> 2202

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2202

gcccaaccga ttcttacggc tgtgccggca cag 33

<210> 2203

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2203

gcccaaaccg tccaacaaag cgccatggca cag 33

<210> 2204

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2204

gcccaatcgg aggggattgg tggtcgtgca cag 33

<210> 2205

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2205

gcccaaatgg gttctactgt tactcgtgca cag 33

<210> 2206

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2206

gcccaaagcg tcagaagccc caccaaagca cag 33

<210> 2207

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2207

gcccaaacta cgcgtgatgt tactacggca cag 33

<210> 2208

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2208

gcccaatcgg cggctgggaa gacttatgca cag 33

<210> 2209

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2209

gcccaaacga cgccgagtac tgttcgtgca cag 33

<210> 2210

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2210

gcccaagttg ctctgacgac gacggttgca cag 33

<210> 2211

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2211

gcccaagata cgcagcttcc gctgagtgca cag 33

<210> 2212

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2212

gcccaaaacg ccgtcagcaa ccccctcgca cag 33

<210> 2213

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2213

gcccaaatgg aactcaaata ccaaagagca cag 33

<210> 2214

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2214

gcccaaaaca gcctccacgg ccacgccgca cag 33

<210> 2215

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2215

gcccaacaca gccccagcct cagcgacgca cag 33

<210> 2216

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2216

gcccaaggca gcgtcaccag cctcggcgca cag 33

<210> 2217

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2217

gcccaaagag aagtcagcag caccaccgca cag 33

<210> 2218

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2218

gcccaaggta aggcgacgct tgatactgca cag 33

<210> 2219

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2219

gcccaactta atcctccttt gaataatgca cag 33

<210> 2220

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2220

gcccaaactt ctgggcattc gccgtcggca cag 33

<210> 2221

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2221

gcccaagacg tcaccgccac cgcccccgca cag 33

<210> 2222

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2222

gcccaacacc aaaacaccgg cagcgtcgca cag 33

<210> 2223

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2223

gcccaagatc ttacgcatac ttttgatgca cag 33

<210> 2224

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2224

gcccaatacc tccccaacaa agaaagagca cag 33

<210> 2225

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2225

gcccaagtgg atggtacgta tacggtggca cag 33

<210> 2226

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2226

gcccaatacc tcaccagcgg cggctacgca cag 33

<210> 2227

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2227

gcccaagcca gcctcgtcgt cgtcgccgca cag 33

<210> 2228

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2228

gcccaatttg atgctaattc gaagattgca cag 33

<210> 2229

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2229

gcccaatacc tcaccgaaag ccccggcgca cag 33

<210> 2230

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2230

gcccaaagaa acgccagcct cgaccccgca cag 33

<210> 2231

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2231

gcccaagcgg ggagtcctcg tgcgggtgca cag 33

<210> 2232

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2232

gcccaaagag tcgaaaaact caccccgca cag 33

<210> 2233

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2233

gcccaaagaa ccaccggcga caacaccgca cag 33

<210> 2234

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2234

gcccaacccg ccgccaccag cggcttcgca cag 33

<210> 2235

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2235

gcccaaattc ttacgattca tacgcatgca cag 33

<210> 2236

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2236

gcccaaatca acatcagcag ccacgtcgca cag 33

<210> 2237

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2237

gcccaaccca gcggcagcgc cagaagcgca cag 33

<210> 2238

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2238

gcccaaagta cgatgccgac taggctggca cag 33

<210> 2239

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2239

gcccaactct acgccagcgc cggcgtcgca cag 33

<210> 2240

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2240

gcccaattgg ttcagacggg gctgctggca cag 33

<210> 2241

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2241

gcccaagtca gcctcaacag aaccgaagca cag 33

<210> 2242

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2242

gcccaaggtg ggagggagag ttctttggca cag 33

<210> 2243

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2243

gcccaagtgg agaggatgcc gaggatggca cag 33

<210> 2244

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2244

gcccaacccc aaatcggcat ccccgacgca cag 33

<210> 2245

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2245

gcccaagcta cggtgaagtc gagtactgca cag 33

<210> 2246

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2246

gcccaaggcg gcaacgtcca agccatcgca cag 33

<210> 2247

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2247

gcccaaacta ttgttaatgt tactagtgca cag 33

<210> 2248

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2248

gcccaaggcg accccgccca aagcagcgca cag 33

<210> 2249

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2249

gcccaaacta agaatactga ttttcaggca cag 33

<210> 2250

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2250

gcccaaagac acaccgacgc cgtcatcgca cag 33

<210> 2251

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2251

gcccaaagcg tccacaccgc cgtcagagca cag 33

<210> 2252

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2252

gcccaaatca ccagcctcat gagcggcgca cag 33

<210> 2253

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2253

gcccaagacc acaaccaaat cagcctcgca cag 33

<210> 2254

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2254

gcccaacaag gccaaagcgc cctcaaagca cag 33

<210> 2255

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2255

gcccaaaaca acgccaccag atacaccgca cag 33

<210> 2256

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2256

gcccaatcgc gtaatacgac ttcgtgggca cag 33

<210> 2257

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2257

gcccaaccta gtaattcgaa gctgattgca cag 33

<210> 2258

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2258

gcccaaaaaa ccgtcagcct caacgacgca cag 33

<210> 2259

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2259

gcccaaaccc ccctccccag agtcagcgca cag 33

<210> 2260

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2260

gcccaacaga ctattgcgag tgctttggca cag 33

<210> 2261

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2261

gcccaaccta ttatgaagac gacggttgca cag 33

<210> 2262

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2262

gcccaaagtg cggttattca ggggcatgca cag 33

<210> 2263

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2263

gcccaaccgc tgtatggtac gatgtctgca cag 33

<210> 2264

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2264

gcccaagcga atcggactaa ggattatgca cag 33

<210> 2265

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2265

gcccaagtta ttccgcagac ggagagggca cag 33

<210> 2266

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2266

gcccaaatcg tcaacggcca catcagagca cag 33

<210> 2267

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2267

gcccaaagca gacccaacga aaccaccgca cag 33

<210> 2268

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2268

gcccaagggt atactccggt ttcgagggca cag 33

<210> 2269

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2269

gcccaacctc tgcagaggac tattggggca cag 33

<210> 2270

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2270

gcccaaagca ccggcagccc caccatcgca cag 33

<210> 2271

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2271

gcccaaagta ctatgacggg gctgattgca cag 33

<210> 2272

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2272

gcccaaatcc acgccgtcgg cgccgaagca cag 33

<210> 2273

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2273

gcccaaaccg ccaacgtcag cgaactcgca cag 33

<210> 2274

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2274

gcccaaaaca aaagcgacat gccccacgca cag 33

<210> 2275

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2275

gcccaaagca actacaacac ccacgacgca cag 33

<210> 2276

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2276

gcccaaccga gtgttactca tcatccggca cag 33

<210> 2277

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2277

gcccaaaatt tgagtcttaa gccgctggca cag 33

<210> 2278

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2278

gcccaacttt attcgaataa gagtaatgca cag 33

<210> 2279

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2279

gcccaagata atggtctggt tcatagggca cag 33

<210> 2280

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2280

gcccaaatgg gcaccctcac catcagcgca cag 33

<210> 2281

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2281

gcccaaactt ttcagtctga tgagagggca cag 33

<210> 2282

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2282

gcccaaatcg tcaccggcgc ctacagagca cag 33

<210> 2283

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2283

gcccaaaccg tcgtcaaccc cagcagcgca cag 33

<210> 2284

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2284

gcccaagata ataatgttag gcatacggca cag 33

<210> 2285

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2285

gcccaagatc gttcgcagaa ttcgttggca cag 33

<210> 2286

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2286

gcccaacatc ctcctgtgcc ggcgtctgca cag 33

<210> 2287

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2287

gcccaaaaat acatcacccc cagcagcgca cag 33

<210> 2288

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2288

gcccaagtgc cggataagca ggcgatggca cag 33

<210> 2289

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2289

gcccaagtta ttgcgaagac tgagtatgca cag 33

<210> 2290

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2290

gcccaagggg ggcaggcgga ggcgcgggca cag 33

<210> 2291

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2291

gcccaacaac ccgtcctcaa ccaacccgca cag 33

<210> 2292

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2292

gcccaaaata atactaatga gaatcttgca cag 33

<210> 2293

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2293

gcccaaacta atctgtctct gtcgtcggca cag 33

<210> 2294

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2294

gcccaaggtc agtcgagtga tgagcgggca cag 33

<210> 2295

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2295

gcccaaaccc acgccaccac cttcgccgca cag 33

<210> 2296

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2296

gcccaaacca gccaacaaga cagaagcgca cag 33

<210> 2297

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2297

gcccaagcgt tgttgcatcg tgaggcggca cag 33

<210> 2298

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2298

gcccaaaatc cgagtgttac tgctcttgca cag 33

<210> 2299

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2299

gcccaagtcg ccaacctcaa cagcagagca cag 33

<210> 2300

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2300

gcccaaacca tgctcctcga acccaaagca cag 33

<210> 2301

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2301

gcccaaaatg ttaggccttc gacttatgca cag 33

<210> 2302

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2302

gcccaagtga ttcatattac gaatacggca cag 33

<210> 2303

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2303

gcccaaagca accccagcct cctcaccgca cag 33

<210> 2304

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2304

gcccaatatc aggataatgc taggcttgca cag 33

<210> 2305

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2305

gcccaaatcc aaggcctcac cagccacgca cag 33

<210> 2306

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2306

gcccaaactt ataatcaggg taagcaggca cag 33

<210> 2307

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2307

gcccaagctc ctacggggat gaagcatgca cag 33

<210> 2308

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2308

gcccaaatga gtggtgagct tattcgtgca cag 33

<210> 2309

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2309

gcccaaagac tcaacaccag ccacctcgca cag 33

<210> 2310

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2310

gcccaagcga cggctctggc ggcgggtgca cag 33

<210> 2311

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2311

gcccaaccta tttcggggct taagtcggca cag 33

<210> 2312

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2312

gcccaagagc gtacttttaa tccggctgca cag 33

<210> 2313

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2313

gcccaaatga gtaatatttc tagtgtggca cag 33

<210> 2314

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2314

gcccaaagag acgccagact cagccccgca cag 33

<210> 2315

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2315

gcccaagacc actacgtcaa caccagagca cag 33

<210> 2316

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2316

gcccaacctg ggactgctgt tcgtctggca cag 33

<210> 2317

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2317

gcccaagaca aaggcaccct cagcgaagca cag 33

<210> 2318

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2318

gcccaatcga ttcctaggac ggataatgca cag 33

<210> 2319

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2319

gcccaagagc cggttcttca tactgttgca cag 33

<210> 2320

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2320

gcccaagaca gagccatcct caacagcgca cag 33

<210> 2321

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2321

gcccaagaaa tcggcagcct cagacaagca cag 33

<210> 2322

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2322

gcccaagcct tcgtcggcgc cacccccgca cag 33

<210> 2323

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2323

gcccaattcg tccaaaacaa agacgccgca cag 33

<210> 2324

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2324

gcccaaaggg ataaggcggg gcctacggca cag 33

<210> 2325

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2325

gcccaactcc tccccaccgc ccacaacgca cag 33

<210> 2326

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2326

gcccaaccca acggcatcac cagcaccgca cag 33

<210> 2327

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2327

gcccaatcgg gtgtgacgaa gggtagtgca cag 33

<210> 2328

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2328

gcccaaatga acagcaccat cagccacgca cag 33

<210> 2329

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2329

gcccaataca aaagcgacgt cggcagcgca cag 33

<210> 2330

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2330

gcccaaccgg tgacgcgtgt taatcttgca cag 33

<210> 2331

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2331

gcccaaagaa acgtcgccga cggcctcgca cag 33

<210> 2332

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2332

gcccaagctt cggctacttc gattactgca cag 33

<210> 2333

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2333

gcccaaagcg gcaccgccag caacgtcgca cag 33

<210> 2334

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2334

gcccaacggc aggatcttgg tagtactgca cag 33

<210> 2335

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2335

gcccaagaca gcgccctcat cagcaaagca cag 33

<210> 2336

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2336

gcccaaaaca acggcctcaa cagcgccgca cag 33

<210> 2337

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2337

gcccaagctg cgagtgagcg tcggatggca cag 33

<210> 2338

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2338

gcccaacgtc attctgctgt gcctgaggca cag 33

<210> 2339

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2339

gcccaatatc aggatacgaa ggggcaggca cag 33

<210> 2340

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2340

gcccaaaaga ctgggtcgct gcctgtggca cag 33

<210> 2341

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2341

gcccaaattg cgcggagtgt gtctatggca cag 33

<210> 2342

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2342

gcccaaccca gcagcaaact ccccctcgca cag 33

<210> 2343

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2343

gcccaaatca acgaccaaag aatcagcgca cag 33

<210> 2344

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2344

gcccaaggta tttctgagaa gacttctgca cag 33

<210> 2345

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2345

gcccaaacta gtgcttatac ttcggtggca cag 33

<210> 2346

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2346

gcccaaggca ccctccacag cagcgccgca cag 33

<210> 2347

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2347

gcccaagccc ccagagacgc cgccagcgca cag 33

<210> 2348

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2348

gcccaaaata atactgctat gagtcttgca cag 33

<210> 2349

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2349

gcccaaatcc tcagagtcgc cgacgccgca cag 33

<210> 2350

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2350

gcccaagcca gcgtcgccgg cgccagcgca cag 33

<210> 2351

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2351

gcccaaagcg tcctcaacgg cagcaaagca cag 33

<210> 2352

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2352

gcccaaattt atcagacggc ttctgcggca cag 33

<210> 2353

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2353

gcccaaacca gcgaaagaac ccaattcgca cag 33

<210> 2354

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2354

gcccaaagca ccgtcgccct caccagcgca cag 33

<210> 2355

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2355

gcccaaggga atacggtgat taatgcggca cag 33

<210> 2356

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2356

gcccaacccc tcggcagcat cgtcaccgca cag 33

<210> 2357

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2357

gcccaactca gaatgagcga cagcttcgca cag 33

<210> 2358

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2358

gcccaaacca gcgaaagcgg caccctcgca cag 33

<210> 2359

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2359

gcccaagagg cgacgcggcc tgttcgggca cag 33

<210> 2360

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2360

gcccaaaata agcagttttt ggctgatgca cag 33

<210> 2361

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2361

gcccaactca ccatcagaga caacgtcgca cag 33

<210> 2362

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2362

gcccaagttg ggtctgggct tgctaaggca cag 33

<210> 2363

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2363

gcccaacaaa acgccaccaa cctcatggca cag 33

<210> 2364

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2364

gcccaatcta tgtatgctgg gcatgaggca cag 33

<210> 2365

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2365

gcccaaatgg tcaacagcga aaaagccgca cag 33

<210> 2366

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2366

gcccaacgta tgagtatgcg gtctgatgca cag 33

<210> 2367

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2367

gcccaaagca gcagcggcct caacaaagca cag 33

<210> 2368

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2368

gcccaacaaa gcagcgtcct cacccccgca cag 33

<210> 2369

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2369

gcccaaactc ctaatttgga gactagtgca cag 33

<210> 2370

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2370

gcccaaatgc gtggtactct ttcgatggca cag 33

<210> 2371

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2371

gcccaagatc atggtgctag tcttcctgca cag 33

<210> 2372

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2372

gcccaatctc atttggcgac gccgaaggca cag 33

<210> 2373

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2373

gcccaatctg atgcgtcgca tcggcaggca cag 33

<210> 2374

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2374

gcccaaaccg gcaccgaaag actcagcgca cag 33

<210> 2375

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2375

gcccaagccg tcggccacgt cggccccgca cag 33

<210> 2376

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2376

gcccaacaaa gccaacaagg cgtcaaagca cag 33

<210> 2377

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2377

gcccaaaatc ttacgattag taatcgggca cag 33

<210> 2378

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2378

gcccaagtca gcagcggcta cgaaaccgca cag 33

<210> 2379

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2379

gcccaatcga tttctcctcc tcgtacggca cag 33

<210> 2380

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2380

gcccaaccct acaaccaaag ccccagcgca cag 33

<210> 2381

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2381

gcccaaacga tgtcgtataa tactaatgca cag 33

<210> 2382

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2382

gcccaaggcg cctacaacac cgtcagcgca cag 33

<210> 2383

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2383

gcccaatcga aggttacgcc tcctctggca cag 33

<210> 2384

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2384

gcccaaagat tcagagaaaa cgaccacgca cag 33

<210> 2385

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2385

gcccaattgg atactgggca gccgacggca cag 33

<210> 2386

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2386

gcccaacttc cgtcgactcc gcagaatgca cag 33

<210> 2387

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2387

gcccaaaccc tcagctacgt caccagcgca cag 33

<210> 2388

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2388

gcccaaagca ccaccgtcct ccccgtcgca cag 33

<210> 2389

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2389

gcccaaatga cgcatacgct tttgagtgca cag 33

<210> 2390

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2390

gcccaaagca cctacaacaa aaccttcgca cag 33

<210> 2391

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2391

gcccaagcga cgtcgagtca tacgctggca cag 33

<210> 2392

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2392

gcccaaagac tcaacggcac cgaacccgca cag 33

<210> 2393

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2393

gcccaacaag ccaacacccc caccaaagca cag 33

<210> 2394

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2394

gcccaaagcg ccgtcatcaa cagcagcgca cag 33

<210> 2395

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2395

gcccaaaacc acggcaacga agtcaaagca cag 33

<210> 2396

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2396

gcccaaaagc atctgtcgca tgatccggca cag 33

<210> 2397

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2397

gcccaattgg ggtcgggtag gatggctgca cag 33

<210> 2398

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2398

gcccaaagca accaaatcac catcgtcgca cag 33

<210> 2399

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2399

gcccaaggtg gtaggggtgt gggtatggca cag 33

<210> 2400

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2400

gcccaattcg tcaccgaaag caaaagcgca cag 33

<210> 2401

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2401

gcccaaaaca gcgtccacaa cgacctcgca cag 33

<210> 2402

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2402

gcccaaagcc cccaacaaag cagatacgca cag 33

<210> 2403

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2403

gcccaaactc agcctaatca tgattctgca cag 33

<210> 2404

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2404

gcccaaacga ggctgaatga ggtgactgca cag 33

<210> 2405

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2405

gcccaaacgg cgcagcgtac taatgttgca cag 33

<210> 2406

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2406

gcccaacccg gcagaagccc caccaccgca cag 33

<210> 2407

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2407

gcccaagcct acagcgtcgt cagaggcgca cag 33

<210> 2408

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2408

gcccaagttg gtccggtgct ttctagggca cag 33

<210> 2409

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2409

gcccaaacca aaatgggcac ccccaacgca cag 33

<210> 2410

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2410

gcccaaacca cccccaacct caaccccgca cag 33

<210> 2411

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2411

gcccaaacca gcggcaccga cggcatcgca cag 33

<210> 2412

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2412

gcccaaccga tgcctaatat gccgtcggca cag 33

<210> 2413

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2413

gcccaagccg acgccctcag caacagagca cag 33

<210> 2414

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2414

gcccaactcc aaaccagcag ccacaccgca cag 33

<210> 2415

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2415

gcccaaacca gcatgcaagg cgtctacgca cag 33

<210> 2416

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2416

gcccaacaga ctactgtttt gaataaggca cag 33

<210> 2417

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2417

gcccaaatca tccccgtcaa cagcaccgca cag 33

<210> 2418

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2418

gcccaaattg ctactgttac ttctagtgca cag 33

<210> 2419

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2419

gcccaattgg agacgccggg tcgtatggca cag 33

<210> 2420

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2420

gcccaaatcg ccaccagcgt cggcagcgca cag 33

<210> 2421

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2421

gcccaagtca gagaacacga agccctcgca cag 33

<210> 2422

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2422

gcccaacccc tcaccaacgt ccaaggcgca cag 33

<210> 2423

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2423

gcccaacgtg atatggtgca gactatggca cag 33

<210> 2424

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2424

gcccaaagac tcggcttcgc caccaacgca cag 33

<210> 2425

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2425

gcccaaatgt ctcaggtgac gactgaggca cag 33

<210> 2426

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2426

gcccaaagtg tgcttccgaa tgctattgca cag 33

<210> 2427

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2427

gcccaaaaat tcagccccac cctcgccgca cag 33

<210> 2428

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2428

gcccaaaaca tcggcaacat ggtcctcgca cag 33

<210> 2429

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2429

gcccaaagtc ttcttactgt tttgagtgca cag 33

<210> 2430

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2430

gcccaaaaca gcaaccccag catgctcgca cag 33

<210> 2431

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2431

gcccaaatta ctgcggctgt gcgtgatgca cag 33

<210> 2432

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2432

gcccaagcct acaccagcaa cgacagagca cag 33

<210> 2433

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2433

gcccaaaaca gcgtcggcag catgaaagca cag 33

<210> 2434

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2434

gcccaaagac tcgacaccac ctgggtcgca cag 33

<210> 2435

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2435

gcccaaattg ctgaggcggg gggtcgtgca cag 33

<210> 2436

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2436

gcccaaagca aaaccaacct ccaactcgca cag 33

<210> 2437

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2437

gcccaatttt cgaaggatga tgctgttgca cag 33

<210> 2438

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2438

gcccaactca ccagccacag cctcaccgca cag 33

<210> 2439

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2439

gcccaacacg tccaactcca ataccccgca cag 33

<210> 2440

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2440

gcccaaaacc acaaccaacc cagcgccgca cag 33

<210> 2441

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2441

gcccaaactg agggtgcgcg gagtttggca cag 33

<210> 2442

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2442

gcccaaaacc aaagcgacag caaagtcgca cag 33

<210> 2443

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2443

gcccaagtga gtcttccgct ggctccggca cag 33

<210> 2444

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2444

gcccaaaaca acaccaacct cagcagagca cag 33

<210> 2445

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2445

gcccaatatt cgaatagtaa taatcatgca cag 33

<210> 2446

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2446

gcccaaggcc tcgaaaccag actccacgca cag 33

<210> 2447

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2447

gcccaactga ctactactga gtctaaggca cag 33

<210> 2448

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2448

gcccaaatgg gcgccagaat gcccctcgca cag 33

<210> 2449

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2449

gcccaaagtc atgatcatat gcttattgca cag 33

<210> 2450

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2450

gcccaacgta ctgagggttc ggataatgca cag 33

<210> 2451

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2451

gcccaaaatt ttcagcgtga tgggccggca cag 33

<210> 2452

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2452

gcccaacttt cgaatattaa tccgcatgca cag 33

<210> 2453

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2453

gcccaaagca gcaaccacac cagcagagca cag 33

<210> 2454

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2454

gcccaaatgc acgtcaacgc cagccccgca cag 33

<210> 2455

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2455

gcccaatggg attcgttggc tgcgccggca cag 33

<210> 2456

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2456

gcccaactgg atggtgcgca taatgcggca cag 33

<210> 2457

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2457

gcccaatcga ttaggagtcc gcctcctgca cag 33

<210> 2458

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2458

gcccaaaatg ggacgctgaa ggggttggca cag 33

<210> 2459

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2459

gcccaatttt atcaggagca gtctttggca cag 33

<210> 2460

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2460

gcccaatacg accaaaaaag cctcgccgca cag 33

<210> 2461

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2461

gcccaactgt cgacgaatcg tacttttgca cag 33

<210> 2462

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2462

gcccaaaaac aaacccaaga cagcagcgca cag 33

<210> 2463

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2463

gcccaatatg agcgggggcc tcagatggca cag 33

<210> 2464

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2464

gcccaaaccc acgccaacag cgtcagagca cag 33

<210> 2465

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2465

gcccaaagta tgaatactaa tgcttctgca cag 33

<210> 2466

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2466

gcccaacttg ataatgagaa ggggagggca cag 33

<210> 2467

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2467

gcccaactcg gccaactcct ccaaagcgca cag 33

<210> 2468

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2468

gcccaaatgc ggatgcctgt taatatggca cag 33

<210> 2469

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2469

gcccaaggca ccagcaacct ccccagcgca cag 33

<210> 2470

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2470

gcccaagagg gggagatgaa gtctccggca cag 33

<210> 2471

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2471

gcccaacagc tggggcatga taatcgggca cag 33

<210> 2472

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2472

gcccaactgg atgattctgc ggggagggca cag 33

<210> 2473

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2473

gcccaaactg gtgctggtaa tgggcgggca cag 33

<210> 2474

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2474

gcccaaaaca ccggcgccgc catgatggca cag 33

<210> 2475

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2475

gcccaaatgg gggcgaatac gtctgttgca cag 33

<210> 2476

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2476

gcccaaccca gcacccacgg cggcagcgca cag 33

<210> 2477

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2477

gcccaaatgc ctcagtcgca gccgaatgca cag 33

<210> 2478

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2478

gcccaatcta ctcaggctag gctgacggca cag 33

<210> 2479

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2479

gcccaaagcg aatacctcct caaccccgca cag 33

<210> 2480

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2480

gcccaaacta ctggtcctgg gctgaatgca cag 33

<210> 2481

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2481

gcccaacctg ggagttctgt gtcttatgca cag 33

<210> 2482

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2482

gcccaatatt ttgggtcggc gcaggaggca cag 33

<210> 2483

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2483

gcccaagccg tcatcaacaa cgccaccgca cag 33

<210> 2484

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2484

gcccaagtcg ccatgcaaga caaaaaagca cag 33

<210> 2485

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2485

gcccaagcgg ataatatgaa tattaaggca cag 33

<210> 2486

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2486

gcccaagggc gggcgacgac tgattctgca cag 33

<210> 2487

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2487

gcccaaatga acctccacct caaaggcgca cag 33

<210> 2488

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2488

gcccaatcga atcagattcg tgattcggca cag 33

<210> 2489

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2489

gcccaagtta atggtcagag tacgcctgca cag 33

<210> 2490

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2490

gcccaaattc ttcctcagtt gaattcggca cag 33

<210> 2491

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2491

gcccaagtcc aagacagcct ccacttcgca cag 33

<210> 2492

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2492

gcccaagacg tcagcaacag aaacaacgca cag 33

<210> 2493

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2493

gcccaagatg ctagtcatgg ttctagtgca cag 33

<210> 2494

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2494

gcccaacggg cgagtgctca tccgccggca cag 33

<210> 2495

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2495

gcccaaccca gcctcagagc cctcgacgca cag 33

<210> 2496

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2496

gcccaagata agacgcctcc ggttgctgca cag 33

<210> 2497

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2497

gcccaactta atgatgttac gactagggca cag 33

<210> 2498

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2498

gcccaaggcg ccagcaacgc ccaagccgca cag 33

<210> 2499

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2499

gcccaaaatg ggtcgcggga tgcgttggca cag 33

<210> 2500

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2500

gcccaatacg gcgtcgaaag aatgagcgca cag 33

<210> 2501

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2501

gcccaagcca aagtcgccag cagcttcgca cag 33

<210> 2502

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2502

gcccaacata agcagattct gttggatgca cag 33

<210> 2503

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2503

gcccaagaca gagccaacga cagaatcgca cag 33

<210> 2504

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2504

gcccaaaaaa tgagcaccac catgctcgca cag 33

<210> 2505

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2505

gcccaaggcg gcgaaaacgg cgtcatcgca cag 33

<210> 2506

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2506

gcccaagtta cgcagactct gatttcggca cag 33

<210> 2507

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2507

gcccaactgt atactaaggc tctgattgca cag 33

<210> 2508

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2508

gcccaaaccc tccccggcca caacagagca cag 33

<210> 2509

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2509

gcccaaagta agtctgggct tgtgggtgca cag 33

<210> 2510

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2510

gcccaactta ctttgaagga tactagtgca cag 33

<210> 2511

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2511

gcccaatgga acggcaccgg cgtcagcgca cag 33

<210> 2512

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2512

gcccaactcg tccaaaacaa caccatggca cag 33

<210> 2513

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2513

gcccaactcg ccgacagagg cagcgccgca cag 33

<210> 2514

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2514

gcccaattgg cttcgacggg tgcgaatgca cag 33

<210> 2515

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2515

gcccaacttg ggcggaatga tactcttgca cag 33

<210> 2516

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2516

gcccaaagaa gcaccaacgg cgaagccgca cag 33

<210> 2517

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2517

gcccaaggcg ccacctacca aagaaccgca cag 33

<210> 2518

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2518

gcccaaggca aaagccaact cctcatggca cag 33

<210> 2519

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2519

gcccaaaata ctgctacgtt ttcttcggca cag 33

<210> 2520

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2520

gcccaatatt cgacgacgat ttctccggca cag 33

<210> 2521

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2521

gcccaaccca gacacagcgt ccaagacgca cag 33

<210> 2522

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2522

gcccaaaata ataatacgaa gatgaatgca cag 33

<210> 2523

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2523

gcccaactca ccggccacca caccaaagca cag 33

<210> 2524

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2524

gcccaaaacg tcagcagcgg ccaaagagca cag 33

<210> 2525

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2525

gcccaaagcc tccaagacgc cagactcgca cag 33

<210> 2526

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2526

gcccaactta atagggatgg gtcggtggca cag 33

<210> 2527

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2527

gcccaaaaca gcaccgaaaa cagcaccgca cag 33

<210> 2528

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2528

gcccaaagcc tcgtcgccca acccgtcgca cag 33

<210> 2529

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2529

gcccaacatg ctgctacggt gagtcatgca cag 33

<210> 2530

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2530

gcccaaaatg tgtctggtgc gcgtttggca cag 33

<210> 2531

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2531

gcccaaagag ccgacaaatt cgactacgca cag 33

<210> 2532

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2532

gcccaaagcc aacccgacgt cacctacgca cag 33

<210> 2533

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2533

gcccaagttc ttactcagca gactcatgca cag 33

<210> 2534

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2534

gcccaaaccg acaacagcac caccagagca cag 33

<210> 2535

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2535

gcccaatata atactcggta tgatgctgca cag 33

<210> 2536

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2536

gcccaaagcg ccaacgacgc cagagtcgca cag 33

<210> 2537

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2537

gcccaaatcc tcacccccga cctcagagca cag 33

<210> 2538

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2538

gcccaaccta atgtgggtgc gagttcggca cag 33

<210> 2539

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2539

gcccaactca gcgccagcca caccatcgca cag 33

<210> 2540

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2540

gcccaaacca aagtcctcat cgaaaaagca cag 33

<210> 2541

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2541

gcccaaatga atactcttat tcctgcggca cag 33

<210> 2542

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2542

gcccaatctt cgaatgttgt gactactgca cag 33

<210> 2543

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2543

gcccaaatga acgtcagacc caccaccgca cag 33

<210> 2544

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2544

gcccaagata ctggtcttaa taatagggca cag 33

<210> 2545

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2545

gcccaaaccc tcaacagaga ccacatggca cag 33

<210> 2546

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2546

gcccaactcc tcctcagcca ccacgccgca cag 33

<210> 2547

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2547

gcccaaaacc ccgccatggc caccttcgca cag 33

<210> 2548

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2548

gcccaaattt ctcagcggat ttatgcggca cag 33

<210> 2549

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2549

gcccaaacga ctggggttgc tggtagtgca cag 33

<210> 2550

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2550

gcccaatttg ggacgtttcc gacgcctgca cag 33

<210> 2551

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2551

gcccaaagag gcagcgactt cgacagcgca cag 33

<210> 2552

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2552

gcccaaagca aagccagcct cgacagcgca cag 33

<210> 2553

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2553

gcccaacttc ttaatagtca ttctgctgca cag 33

<210> 2554

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2554

gcccaagcta gtattcataa ggatattgca cag 33

<210> 2555

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2555

gcccaaagcg accccggcaa attcatggca cag 33

<210> 2556

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2556

gcccaaggca ccagcagcgc ccaaagagca cag 33

<210> 2557

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2557

gcccaaagta cgaatagtaa gctggaggca cag 33

<210> 2558

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2558

gcccaaaatt tgcagactgt tccgaatgca cag 33

<210> 2559

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2559

gcccaagtcg tcacccacct caacgccgca cag 33

<210> 2560

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2560

gcccaactca gcaccagcaa caacttcgca cag 33

<210> 2561

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2561

gcccaaaaca acagcggcca catcagcgca cag 33

<210> 2562

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2562

gcccaagcct accaagtcaa cagcgacgca cag 33

<210> 2563

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2563

gcccaacagc agaattattt gaatcatgca cag 33

<210> 2564

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2564

gcccaatttg cgactacgaa tactggggca cag 33

<210> 2565

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2565

gcccaacttg cgaataagat tgcgaatgca cag 33

<210> 2566

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2566

gcccaacaaa gcttccaaag agaagtcgca cag 33

<210> 2567

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2567

gcccaactgc atatttcgga gccgagggca cag 33

<210> 2568

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2568

gcccaacgtg tgggtgagcg ggagcaggca cag 33

<210> 2569

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2569

gcccaagtta atattattca ggcgtcggca cag 33

<210> 2570

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2570

gcccaaggcg tcggcctcca caacaaagca cag 33

<210> 2571

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2571

gcccaaaata atcctgcgat tccgattgca cag 33

<210> 2572

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2572

gcccaacggc tgtcgagtca ggctgtggca cag 33

<210> 2573

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2573

gcccaacaca gcaacgaact cagacccgca cag 33

<210> 2574

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2574

gcccaaagcc tcggccccac caccaacgca cag 33

<210> 2575

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2575

gcccaaggta atcagacgaa tcgttcggca cag 33

<210> 2576

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2576

gcccaaagta atccggtggg taatccggca cag 33

<210> 2577

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2577

gcccaacaag tccccccct cgtccccgca cag 33

<210> 2578

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2578

gcccaactca gcacccccc cacccaagca cag 33

<210> 2579

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2579

gcccaagtgg gtacggagcc gctttctgca cag 33

<210> 2580

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2580

gcccaaagac ccgacgccac cagccacgca cag 33

<210> 2581

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2581

gcccaagttg agaagcagat gcttaatgca cag 33

<210> 2582

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2582

gcccaattca aaagcgccca agccaccgca cag 33

<210> 2583

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2583

gcccaatggg ctttgtctac ggatggggca cag 33

<210> 2584

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2584

gcccaacttg ctggtctggc tactaatgca cag 33

<210> 2585

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2585

gcccaaaccc tcaccgccgg caccccgca cag 33

<210> 2586

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2586

gcccaaatcc ccgtcaccag cagaatggca cag 33

<210> 2587

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2587

gcccaaggga cggattatcc taggtctgca cag 33

<210> 2588

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2588

gcccaagtta cggagcatag taagttggca cag 33

<210> 2589

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2589

gcccaaaaca tgagcatgcc cgtcaaagca cag 33

<210> 2590

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2590

gcccaaagcg tcggcgtcgg catgagcgca cag 33

<210> 2591

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2591

gcccaaccca gaaccgacaa cgaaggcgca cag 33

<210> 2592

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2592

gcccaattca gcaaccccga cagaaccgca cag 33

<210> 2593

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2593

gcccaaatgc acctcgtccc caccaccgca cag 33

<210> 2594

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2594

gcccaaaatg ctcctccggt ttcttctgca cag 33

<210> 2595

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2595

gcccaatcga atttgcctac tttggcggca cag 33

<210> 2596

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2596

gcccaaatca tgcaaggcat gaccaccgca cag 33

<210> 2597

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2597

gcccaaagtc gtgagacgac gagtcctgca cag 33

<210> 2598

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2598

gcccaaaacc ccaccagctt cagcaccgca cag 33

<210> 2599

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2599

gcccaaaatt tgcagcatgg ttcgactgca cag 33

<210> 2600

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2600

gcccaaaatt ttcattctgg tcatacggca cag 33

<210> 2601

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2601

gcccaaactg agagtgtgta tgcgagggca cag 33

<210> 2602

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2602

gcccaaacta agtctgagat tcctaatgca cag 33

<210> 2603

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2603

gcccaaacca gcctcgccga catgagagca cag 33

<210> 2604

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2604

gcccaaagac tcaaagccga catcaccgca cag 33

<210> 2605

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2605

gcccaactga atatgaatgt tctggctgca cag 33

<210> 2606

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2606

gcccaaagcc tcagacccat cagcgtcgca cag 33

<210> 2607

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2607

gcccaactca gcgtccaact cgtcgaagca cag 33

<210> 2608

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2608

gcccaaagtt ttgagggtgt tcttccggca cag 33

<210> 2609

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2609

gcccaaatca tcgtcggcct ccaacccgca cag 33

<210> 2610

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2610

gcccaagtca gcagctacga aagactcgca cag 33

<210> 2611

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2611

gcccaaagaa ccaacgacgc catcgtcgca cag 33

<210> 2612

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2612

gcccaattca gcgaacacag agaactcgca cag 33

<210> 2613

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2613

gcccaaaaag aagccaccgc caacaccgca cag 33

<210> 2614

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2614

gcccaactca gagccagcat caccgtcgca cag 33

<210> 2615

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2615

gcccaatggt tgggtattac tgaggcggca cag 33

<210> 2616

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2616

gcccaaagca gccaaaaagc cgccgaagca cag 33

<210> 2617

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2617

gcccaagggt cgactcctgg tcttgctgca cag 33

<210> 2618

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2618

gcccaaaagg ggaatgctaa tgatcttgca cag 33

<210> 2619

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2619

gcccaaacca gcgccccccct caaactcgca cag 33

<210> 2620

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2620

gcccaacctg tgcagacgaa tgggcatgca cag 33

<210> 2621

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2621

gcccaaaggc cggctgtgga ttcggctgca cag 33

<210> 2622

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2622

gcccaaacca ccctcagcca aaacagagca cag 33

<210> 2623

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2623

gcccaagtca tgaccgtcgg cagcctcgca cag 33

<210> 2624

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2624

gcccaagccc tcaacaaaga aaactgggca cag 33

<210> 2625

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2625

gcccaacatc atcatttgac ggggaatgca cag 33

<210> 2626

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2626

gcccaaggga tgcggactgt gaatattgca cag 33

<210> 2627

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2627

gcccaaactc tgaatagttc ggtggctgca cag 33

<210> 2628

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2628

gcccaatctg cttcgacgat tcttgttgca cag 33

<210> 2629

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2629

gcccaagaga tgattaggcc tcgtgcggca cag 33

<210> 2630

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2630

gcccaaatgt cggcggcgag ttataaggca cag 33

<210> 2631

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2631

gcccaacatt ttacgactgg gtctgttgca cag 33

<210> 2632

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2632

gcccaagctt ctcatactat tgggcttgca cag 33

<210> 2633

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2633

gcccaaagtc gggagcatca gctgtatgca cag 33

<210> 2634

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2634

gcccaagctg gtacgacggc tccgcttgca cag 33

<210> 2635

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2635

gcccaaggca aagtcagcgg cgccatggca cag 33

<210> 2636

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2636

gcccaaaaac tcagcggcat gagcgtcgca cag 33

<210> 2637

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2637

gcccaagtcc tccccaaaga cgacgccgca cag 33

<210> 2638

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2638

gcccaactcg ccggcatcct caccaccgca cag 33

<210> 2639

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2639

gcccaagtcg tccccggcgc ccaaaccgca cag 33

<210> 2640

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2640

gcccaaggtc agcattctta tgcgcatgca cag 33

<210> 2641

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2641

gcccaacatc atctgagtac gtcgattgca cag 33

<210> 2642

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2642

gcccaaaccc tcatcccccc caaccccgca cag 33

<210> 2643

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2643

gcccaagaga tgcataatcc tagggcggca cag 33

<210> 2644

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2644

gcccaaatcg aaaacccccc cagaggcgca cag 33

<210> 2645

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2645

gcccaaggcc aattcagcga cgccagagca cag 33

<210> 2646

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2646

gcccaagccg aagccagcgc cagcagagca cag 33

<210> 2647

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2647

gcccaacttg ttaaggggga tgcgagggca cag 33

<210> 2648

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2648

gcccaacagg gtcatacgca tgggaatgca cag 33

<210> 2649

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2649

gcccaacaga agcctacgtc tacttttgca cag 33

<210> 2650

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2650

gcccaaaagc ttgctgcttt gggtgctgca cag 33

<210> 2651

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2651

gcccaatcgt ctgtggatca gatgaaggca cag 33

<210> 2652

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2652

gcccaaggca tcgtcaccgc ccccctcgca cag 33

<210> 2653

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2653

gcccaacttt tgaagatgcc ttctcctgca cag 33

<210> 2654

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2654

gcccaaaatg ttgctcatac ggtgcgtgca cag 33

<210> 2655

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2655

gcccaactga tgagtacgaa tgtgagtgca cag 33

<210> 2656

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2656

gcccaactgt ctaataataa tgcgcttgca cag 33

<210> 2657

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2657

gcccaactcc tcatcggccc caccggcgca cag 33

<210> 2658

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2658

gcccaagtca gaaacaccat gatcagcgca cag 33

<210> 2659

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2659

gcccaaggcg ccaccggcca cctcaccgca cag 33

<210> 2660

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2660

gcccaaatga ccgtcggcaa cctcggcgca cag 33

<210> 2661

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2661

gcccaaagta atggtctgaa tggtttggca cag 33

<210> 2662

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2662

gcccaacgga atgagaatga gagtcgtgca cag 33

<210> 2663

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2663

gcccaaggga atgctcggga tgcgagtgca cag 33

<210> 2664

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2664

gcccaaatca gcaaactcct cctcagcgca cag 33

<210> 2665

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2665

gcccaaaacg acaccaccaa catgagcgca cag 33

<210> 2666

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2666

gcccaaggcc tcgaagccaa caaaagcgca cag 33

<210> 2667

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2667

gcccaacatt atagtactgt tggggtggca cag 33

<210> 2668

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2668

gcccaaccta cgatttcggt tctgcctgca cag 33

<210> 2669

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2669

gcccaagtcc aaaccatcgg ccacgaagca cag 33

<210> 2670

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2670

gcccaaaaac ccgaaaccgc cagcgacgca cag 33

<210> 2671

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2671

gcccaaacca acacccccac cagcagagca cag 33

<210> 2672

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2672

gcccaaagtt tgacgcttag ttcgcatgca cag 33

<210> 2673

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2673

gcccaacatt atcatagtat tcaggctgca cag 33

<210> 2674

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2674

gcccaatacc acggcgaaaa cgaaagagca cag 33

<210> 2675

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2675

gcccaactgc ctcatactgc gcgtgtggca cag 33

<210> 2676

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2676

gcccaaacca gagaaggcag caccggcgca cag 33

<210> 2677

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2677

gcccaagttg atcgtagggc gatgcttgca cag 33

<210> 2678

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2678

gcccaaacca gcgtcagcgc cgtcatggca cag 33

<210> 2679

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2679

gcccaaagcc aaaaactcac cgaaaaagca cag 33

<210> 2680

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2680

gcccaaagac tccccagcct cagcgtcgca cag 33

<210> 2681

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2681

gcccaaagtg ttagtgaggg tagtagggca cag 33

<210> 2682

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2682

gcccaaagca tccccagcgt cagcgccgca cag 33

<210> 2683

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2683

gcccaaacta ctaataatgc taagagtgca cag 33

<210> 2684

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2684

gcccaagcga gtggggaggc ttcgactgca cag 33

<210> 2685

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2685

gcccaagata ataattcgag tattgctgca cag 33

<210> 2686

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2686

gcccaagtcc acgacaacag caaactcgca cag 33

<210> 2687

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2687

gcccaatcta ctttggcggg ttcggaggca cag 33

<210> 2688

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2688

gcccaacctg agaagagtca ttcgtcggca cag 33

<210> 2689

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2689

gcccaacaaa tgctcagagc cagcgtcgca cag 33

<210> 2690

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2690

gcccaagccc tcagcaacaa catcaccgca cag 33

<210> 2691

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2691

gcccaaagtt tggcgaatca gttgcctgca cag 33

<210> 2692

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2692

gcccaagaac aaagcagact ccaaaccgca cag 33

<210> 2693

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2693

gcccaaaatt tgtctcagaa tgttatggca cag 33

<210> 2694

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2694

gcccaaagcc acaaactcag cagcagcgca cag 33

<210> 2695

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2695

gcccaaccta ctaatactaa gacggcggca cag 33

<210> 2696

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2696

gcccaaatga atccggctac tgtggctgca cag 33

<210> 2697

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2697

gcccaaaaga ttgagcgtac gaattttgca cag 33

<210> 2698

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2698

gcccaaacta gtcctacgta taagttggca cag 33

<210> 2699

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2699

gcccaaagga gtgatcatat tgattatgca cag 33

<210> 2700

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2700

gcccaaactc ttggtctgaa tactaatgca cag 33

<210> 2701

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2701

gcccaacccc tcagcaacca cggcaccgca cag 33

<210> 2702

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2702

gcccaagccg tcagcagact ccccatggca cag 33

<210> 2703

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2703

gcccaactcc tcaccgaaag caaaatggca cag 33

<210> 2704

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2704

gcccaacata tgaggacgga tactgctgca cag 33

<210> 2705

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2705

gcccaaagtc ttacggttaa tgcggctgca cag 33

<210> 2706

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2706

gcccaaaacc ccaacggcgt caccgtcgca cag 33

<210> 2707

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2707

gcccaaacta ctaagttgcc gactcttgca cag 33

<210> 2708

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2708

gcccaaaatt ctacgtcgaa gcagctggca cag 33

<210> 2709

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2709

gcccaaactt tggggtcgtc taatactgca cag 33

<210> 2710

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2710

gcccaaccgc gtgcgactga tccgcaggca cag 33

<210> 2711

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2711

gcccaaagcc tcctcaacaa aaccaccgca cag 33

<210> 2712

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2712

gcccaacaaa aaagcgacgg cagccccgca cag 33

<210> 2713

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2713

gcccaaaccg tcagcggctt caccaaagca cag 33

<210> 2714

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2714

gcccaaaccg tcctcgtcaa aagcaccgca cag 33

<210> 2715

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2715

gcccaagggg ctcatatttc taatcctgca cag 33

<210> 2716

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2716

gcccaagaac ccagcatccc cagacccgca cag 33

<210> 2717

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2717

gcccaaggca ccgtccaagc cagacaagca cag 33

<210> 2718

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2718

gcccaaaata atcataatta tgtggatgca cag 33

<210> 2719

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2719

gcccaaagga cggcgagtgt tagtttggca cag 33

<210> 2720

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2720

gcccaaatca gcatggacaa ccacagagca cag 33

<210> 2721

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2721

gcccaaagtg atgggcataa tcattctgca cag 33

<210> 2722

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2722

gcccaaagcg ccggcagcgg catcggcgca cag 33

<210> 2723

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2723

gcccaaaaag ccaccctcag cgaaaaagca cag 33

<210> 2724

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2724

gcccaaatcc acgccggcgg ccaaagagca cag 33

<210> 2725

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2725

gcccaactga ctcctagtag tgcgaatgca cag 33

<210> 2726

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2726

gcccaagacg gcaaagccta caaccacgca cag 33

<210> 2727

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2727

gcccaatggt cggcgcagac gatgaatgca cag 33

<210> 2728

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2728

gcccaaaata gtacgcggat tattgttgca cag 33

<210> 2729

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2729

gcccaaaaaa acagcagcat gctcctcgca cag 33

<210> 2730

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2730

gcccaaagac aagtcagcgg caccagcgca cag 33

<210> 2731

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2731

gcccaacccg tcaccggcaa cagcgacgca cag 33

<210> 2732

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2732

gcccaaatgt accccgacag acacagcgca cag 33

<210> 2733

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2733

gcccaaacct accaaatcgg cgccgtcgca cag 33

<210> 2734

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2734

gcccaaaaaa ccggcagcct cagcgccgca cag 33

<210> 2735

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2735

gcccaaatca tccccgccag cagccccgca cag 33

<210> 2736

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2736

gcccaagaca accaaggcac caaacacgca cag 33

<210> 2737

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2737

gcccaaagct acaaagaaag ccccagcgca cag 33

<210> 2738

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2738

gcccaagcca tcatcagcaa caacagagca cag 33

<210> 2739

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2739

gcccaaaccg accaaatcag aacctacgca cag 33

<210> 2740

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2740

gcccaacaca gcgccaccaa catcgacgca cag 33

<210> 2741

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2741

gcccaaggca ccgtcaacat cagcgccgca cag 33

<210> 2742

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2742

gcccaagctg ttgttccggc tatgcaggca cag 33

<210> 2743

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2743

gcccaaatcc ccagaagcga ccccagcgca cag 33

<210> 2744

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2744

gcccaaacta agtatacgtt gcagagtgca cag 33

<210> 2745

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2745

gcccaatctc tgcgtgagac gagtattgca cag 33

<210> 2746

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2746

gcccaagagg gtgataataa gcggttggca cag 33

<210> 2747

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2747

gcccaaatcg tcagcagcac cagcagcgca cag 33

<210> 2748

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2748

gcccaattgg tgaattctgg ggcgcatgca cag 33

<210> 2749

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2749

gcccaacgta cgtcggataa tcagacggca cag 33

<210> 2750

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2750

gcccaacccg acggcaaaag cctcgccgca cag 33

<210> 2751

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2751

gcccaacaca aaaacatgct cgaaaccgca cag 33

<210> 2752

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2752

gcccaactca gccccggcgt caccgccgca cag 33

<210> 2753

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2753

gcccaaacca accacaccag aaacaccgca cag 33

<210> 2754

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2754

gcccaactcg gcgacagcga aagaaacgca cag 33

<210> 2755

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2755

gcccaactcc tcaaaatcga acaaatggca cag 33

<210> 2756

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2756

gcccaaagcc acctcaaaga acaccccgca cag 33

<210> 2757

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2757

gcccaaccca tcgacaacag acaatacgca cag 33

<210> 2758

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2758

gcccaagata tgcattcggg ggtgaaggca cag 33

<210> 2759

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2759

gcccaacctt cgtcgcctat tccgaatgca cag 33

<210> 2760

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2760

gcccaactca gcagcaccct cgacgacgca cag 33

<210> 2761

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2761

gcccaaccca acaccgccca cagcagcgca cag 33

<210> 2762

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2762

gcccaagcca ccagagtcga cgtcatcgca cag 33

<210> 2763

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2763

gcccaaagca ccaacgtcac caccgtcgca cag 33

<210> 2764

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2764

gcccaatatg gtaataatag ttttagtgca cag 33

<210> 2765

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2765

gcccaaccca ccgccaaacc catgtacgca cag 33

<210> 2766

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2766

gcccaactcc ccaacctccc caccatcgca cag 33

<210> 2767

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2767

gcccaaacta ggttgccgaa tattagtgca cag 33

<210> 2768

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2768

gcccaacata agcattctac gcagggtgca cag 33

<210> 2769

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2769

gcccaaaatg gtacgaatgg ttttactgca cag 33

<210> 2770

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2770

gcccaaagca ccgacgccat cagattcgca cag 33

<210> 2771

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2771

gcccaactgg ttcgtgatca tacggcggca cag 33

<210> 2772

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2772

gcccaaatca gcctcggcta cagcaaagca cag 33

<210> 2773

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2773

gcccaacttt ttggttcttc gcatacggca cag 33

<210> 2774

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2774

gcccaaagca ccatcacccc cagactcgca cag 33

<210> 2775

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2775

gcccaacaga ttactaatgg gctgcgtgca cag 33

<210> 2776

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2776

gcccaaacga cggagtataa tattcgtgca cag 33

<210> 2777

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2777

gcccaaaccg acctcggcag aggcaccgca cag 33

<210> 2778

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2778

gcccaagaaa gaagccccac catcctcgca cag 33

<210> 2779

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2779

gcccaacatg gggattctgc gaggactgca cag 33

<210> 2780

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2780

gcccaattga gtgtgcctaa tcagcaggca cag 33

<210> 2781

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2781

gcccaaagcg acggccccgt ccccagagca cag 33

<210> 2782

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2782

gcccaaaata tgaatcatat tgcttctgca cag 33

<210> 2783

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2783

gcccaagtcc ccaacagccc ccaaagagca cag 33

<210> 2784

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2784

gcccaagaca gaatggccag cagcagagca cag 33

<210> 2785

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2785

gcccaattgc tgtcgaattc gagtcaggca cag 33

<210> 2786

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2786

gcccaagaga cggcggtgtt gaatcatgca cag 33

<210> 2787

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2787

gcccaagaac aaagaacccc cagccccgca cag 33

<210> 2788

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2788

gcccaacaac acctcaacgg cagcatcgca cag 33

<210> 2789

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2789

gcccaaagcg tcctccaagt cgaaggcgca cag 33

<210> 2790

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2790

gcccaatttc tgtcgggtac gactaaggca cag 33

<210> 2791

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2791

gcccaaggta atccgaatga tcggcaggca cag 33

<210> 2792

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2792

gcccaaaccg acaaagccgt ccaaatcgca cag 33

<210> 2793

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2793

gcccaagaga agtatacggg ttcgcctgca cag 33

<210> 2794

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2794

gcccaactcg ccggcagcag aaacctcgca cag 33

<210> 2795

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2795

gcccaaatga tccccagcac caacttcgca cag 33

<210> 2796

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2796

gcccaacctt tgacgggttc tagtgctgca cag 33

<210> 2797

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2797

gcccaaagcg tcagcaacgc cttcagcgca cag 33

<210> 2798

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2798

gcccaacagg ggggtcaggc gcttagggca cag 33

<210> 2799

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2799

gcccaacacc ccggccaaac cctcagcgca cag 33

<210> 2800

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2800

gcccaaaagg agtataatac gtatagtgca cag 33

<210> 2801

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2801

gcccaaaccc acaccgccca acccagcgca cag 33

<210> 2802

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2802

gcccaaatga cgccgcaggt tcctcgtgca cag 33

<210> 2803

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2803

gcccaaactc gggtttctag tcttgcggca cag 33

<210> 2804

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2804

gcccaacacg ccgacctcaa aatcgtcgca cag 33

<210> 2805

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2805

gcccaaaaca gaaacaccga caccgtcgca cag 33

<210> 2806

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2806

gcccaagccc acaaagacaa ccacctcgca cag 33

<210> 2807

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2807

gcccaatctg ttcctgtgcc tgctgctgca cag 33

<210> 2808

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2808

gcccaacaaa ccaacagcgc cctcatggca cag 33

<210> 2809

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2809

gcccaactcg gcagagacac cgcctacgca cag 33

<210> 2810

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2810

gcccaaagtt ctgttgctct tgttgttgca cag 33

<210> 2811

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2811

gcccaaatga acgccgccac cacccaagca cag 33

<210> 2812

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2812

gcccaaatgg tttctacggc taaggatgca cag 33

<210> 2813

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2813

gcccaactgg gtcagatgta ttctccggca cag 33

<210> 2814

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2814

gcccaagatt cgaaggagaa gcctaatgca cag 33

<210> 2815

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2815

gcccaaagcc cccccgtcca aggcctcgca cag 33

<210> 2816

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2816

gcccaaactg cgtcggatcg tttgccggca cag 33

<210> 2817

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2817

gcccaaatct acagccccac caccgtcgca cag 33

<210> 2818

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2818

gcccaaagtc agtctaagga gctgcgggca cag 33

<210> 2819

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2819

gcccaaggcg ccctcaacgg cggcgtcgca cag 33

<210> 2820

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2820

gcccaaacta ttattaattc gagtaaggca cag 33

<210> 2821

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2821

gcccaacctg tgagtgctca gcctgttgca cag 33

<210> 2822

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2822

gcccaatcta atgaggcggt gactaatgca cag 33

<210> 2823

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2823

gcccaagcga gtatgcagat gaatcgtgca cag 33

<210> 2824

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2824

gcccaaagcg tcggcaaaag cgaactcgca cag 33

<210> 2825

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2825

gcccaatctc aggttaatcc ttctagtgca cag 33

<210> 2826

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2826

gcccaaatta cgactgatca gcctttgca cag 33

<210> 2827

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2827

gcccaaaata atgggtctgg ttcttatgca cag 33

<210> 2828

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2828

gcccaaaccc tcgccagaag cagcgtcgca cag 33

<210> 2829

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2829

gcccaaaacg ccagcaccat gaccagagca cag 33

<210> 2830

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2830

gcccaaacga atcaggtgag gtatgttgca cag 33

<210> 2831

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2831

gcccaaagca cccaaagccc caacagagca cag 33

<210> 2832

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2832

gcccaagata cgggggcgag ggggttggca cag 33

<210> 2833

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2833

gcccaacctg gttctcatgt ggtggctgca cag 33

<210> 2834

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2834

gcccaagcca acggcatcga aaccaaagca cag 33

<210> 2835

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2835

gcccaagcgc atggtcaggt gcaggaggca cag 33

<210> 2836

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2836

gcccaagctc tgagtcatga tctttcggca cag 33

<210> 2837

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2837

gcccaactcg gcagcagcct caccgccgca cag 33

<210> 2838

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2838

gcccaaggca acaacaccgc caaactcgca cag 33

<210> 2839

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2839

gcccaaaatt atgctcagtc tgcgcttgca cag 33

<210> 2840

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2840

gcccaagatt cgcagagtaa gacttttgca cag 33

<210> 2841

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2841

gcccaaacta atcatgttaa gtttacggca cag 33

<210> 2842

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2842

gcccaaagca cccccaccca cggcctcgca cag 33

<210> 2843

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2843

gcccaaagtg tggggttgac gatggtggca cag 33

<210> 2844

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2844

gcccaaattc cgaagggttc tggggcggca cag 33

<210> 2845

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2845

gcccaaaccg cccaagccag agtcctcgca cag 33

<210> 2846

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2846

gcccaatggc acgccggcag cgtcggcgca cag 33

<210> 2847

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2847

gcccaatcgc agtctctttt ggttgaggca cag 33

<210> 2848

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2848

gcccaaaata atagtgggcc tttgaaggca cag 33

<210> 2849

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2849

gcccaaaggg ataatgctat tgagcatgca cag 33

<210> 2850

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2850

gcccaaacta tgtcgaatat tacgagggca cag 33

<210> 2851

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2851

gcccaactca gcaccctcag ccaaatggca cag 33

<210> 2852

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2852

gcccaagtca tgcaaaacta cggcagcgca cag 33

<210> 2853

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2853

gcccaaactc attcggcgca gcagaatgca cag 33

<210> 2854

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2854

gcccaatcgg ttcctccgaa taggaatgca cag 33

<210> 2855

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2855

gcccaatctg ttgcggcgag tcctcgtgca cag 33

<210> 2856

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2856

gcccaaaata atacttcgac gctgcatgca cag 33

<210> 2857

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2857

gcccaaaatc tttctgatca tatgccggca cag 33

<210> 2858

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2858

gcccaaggtc tgtatgctac gacttctgca cag 33

<210> 2859

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2859

gcccaacgta atggtggtgc gaatgttgca cag 33

<210> 2860

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2860

gcccaattcc acaacctcac cctcagcgca cag 33

<210> 2861

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2861

gcccaatgga agagtcctgc tgctattgca cag 33

<210> 2862

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2862

gcccaaccca aaggcctcag cggcgaagca cag 33

<210> 2863

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2863

gcccaatcgc attatcagtt gcatccggca cag 33

<210> 2864

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2864

gcccaaacca ccttcagaag cgcccccgca cag 33

<210> 2865

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2865

gcccaatacg acgccaccca cagcgccgca cag 33

<210> 2866

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2866

gcccaaaatc agtcgggtcc gttgaaggca cag 33

<210> 2867

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2867

gcccaacaca ccaacatgac cagcatggca cag 33

<210> 2868

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2868

gcccaacata tgaagagtca gctgccggca cag 33

<210> 2869

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2869

gcccaaaaac tccccaccat ggccaacgca cag 33

<210> 2870

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2870

gcccaagttg ggactaatgc gaatcatgca cag 33

<210> 2871

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2871

gcccaattga agactgatcc ttttctggca cag 33

<210> 2872

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2872

gcccaacacc tccaacaaaa cctcaccgca cag 33

<210> 2873

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2873

gcccaaactc agaataagaa ttctcatgca cag 33

<210> 2874

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2874

gcccaaccca acgcccaaag ccaaagagca cag 33

<210> 2875

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2875

gcccaaggta gtggtcattc gactcttgca cag 33

<210> 2876

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2876

gcccaattga cgggtaggct tgagaaggca cag 33

<210> 2877

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2877

gcccaaccca gcagaaacgc cagcctcgca cag 33

<210> 2878

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2878

gcccaagttt ttaggacgtc ggatcttgca cag 33

<210> 2879

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2879

gcccaaatcg ccagcaccta cagcagcgca cag 33

<210> 2880

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2880

gcccaaacca tcaaccacgc caccagcgca cag 33

<210> 2881

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2881

gcccaagcta tgaataatcg tgctcatgca cag 33

<210> 2882

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2882

gcccaatcgc atcatgagca ggtttctgca cag 33

<210> 2883

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2883

gcccaatcgg gggttactag taagcttgca cag 33

<210> 2884

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2884

gcccaagtgt ttactaatga tgtgcctgca cag 33

<210> 2885

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2885

gcccaagctg cggtgttggt ggctccggca cag 33

<210> 2886

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2886

gcccaaccca ccgccggcag atacctcgca cag 33

<210> 2887

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2887

gcccaacatc ttaattcgca gaatatggca cag 33

<210> 2888

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2888

gcccaaccca accccaacgt cggcagagca cag 33

<210> 2889

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2889

gcccaagcta gtgagaatct tcgttcggca cag 33

<210> 2890

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2890

gcccaaaata gtccgatgag gactgctgca cag 33

<210> 2891

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2891

gcccaagttg ctggtacgaa tcagccggca cag 33

<210> 2892

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2892

gcccaagggt cggagtctag tatgcgggca cag 33

<210> 2893

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2893

gcccaaacgt tggcgtctgc ttcgcgggca cag 33

<210> 2894

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2894

gcccaaattt cgcagtcttg gactgctgca cag 33

<210> 2895

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2895

gcccaaagtg gtgattcgag gtctactgca cag 33

<210> 2896

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2896

gcccaaccca acatcaaaac cgacctcgca cag 33

<210> 2897

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2897

gcccaatggc aagccaccga caccgccgca cag 33

<210> 2898

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2898

gcccaaaaca acaacgtcgt cacctacgca cag 33

<210> 2899

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2899

gcccaaaagg ctattagtac ggctaatgca cag 33

<210> 2900

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2900

gcccaaaggc aggaggtgag tggtaatgca cag 33

<210> 2901

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2901

gcccaatggc aagacctcaa cgtcgtcgca cag 33

<210> 2902

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2902

gcccaaagtc gttctgataa tcctctggca cag 33

<210> 2903

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2903

gcccaaattg gttcgtctac taagcctgca cag 33

<210> 2904

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2904

gcccaaagcc ccatcatcaa caccagcgca cag 33

<210> 2905

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2905

gcccaagata aggatactgc tgctcctgca cag 33

<210> 2906

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2906

gcccaaagca aagtcgacag cagctacgca cag 33

<210> 2907

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2907

gcccaaaccc tcaccagagg cacccccgca cag 33

<210> 2908

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2908

gcccaaacca gaaccagccc catccaagca cag 33

<210> 2909

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2909

gcccaactga ctagtgcgac tactaatgca cag 33

<210> 2910

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2910

gcccaaacga ttaatattca ttcggctgca cag 33

<210> 2911

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2911

gcccaatcgt tttcgcctga gaatcgtgca cag 33

<210> 2912

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2912

gcccaaggga tggctctggg gacgggggca cag 33

<210> 2913

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2913

gcccaataca acggcaccca aggcagagca cag 33

<210> 2914

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2914

gcccaaaaca aactcctcga acaccccgca cag 33

<210> 2915

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2915

gcccaatatg ttaataatgt tgctccggca cag 33

<210> 2916

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2916

gcccaatata gtgtggtgca tgataaggca cag 33

<210> 2917

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2917

gcccaaggcc tcgaaaccag acacatggca cag 33

<210> 2918

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2918

gcccaagcgc ctaatttgat ggcggatgca cag 33

<210> 2919

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2919

gcccaaaaca gcaacggcat ggcccccgca cag 33

<210> 2920

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2920

gcccaaagtt tgaattatag tcagaatgca cag 33

<210> 2921

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2921

gcccaaaccg aatacgccaa cggcagagca cag 33

<210> 2922

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2922

gcccaacctc ttgggcatgt taggtctgca cag 33

<210> 2923

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2923

gcccaacttc gggattcgcc ggggctggca cag 33

<210> 2924

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2924

gcccaagtta ttaggtcgaa tactcatgca cag 33

<210> 2925

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2925

gcccaagcgt cggtgagtaa tctttcggca cag 33

<210> 2926

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2926

gcccaatggg cccaaagaac cagccaagca cag 33

<210> 2927

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2927

gcccaaaacg acaaaggcat gagcagagca cag 33

<210> 2928

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2928

gcccaacaga atgatactcg taattatgca cag 33

<210> 2929

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2929

gcccaaggcg aagtcgccgg cagactcgca cag 33

<210> 2930

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2930

gcccaaacca ccaccaacac cgtcagcgca cag 33

<210> 2931

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2931

gcccaaccgg ttatgtcgaa taaggatgca cag 33

<210> 2932

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2932

gcccaaaacg gcggcaccac cttcatcgca cag 33

<210> 2933

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2933

gcccaagttt tgaagactac ggctattgca cag 33

<210> 2934

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2934

gcccaacccc acggcgtcgg cagcgccgca cag 33

<210> 2935

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2935

gcccaatcta atgcgcatcc tctggctgca cag 33

<210> 2936

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2936

gcccaaaaaa gcaccagcct cgaccccgca cag 33

<210> 2937

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2937

gcccaattca acaaaaccaa cgacatggca cag 33

<210> 2938

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2938

gcccaacacc aaaccagcga actcagagca cag 33

<210> 2939

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2939

gcccaatggg ccaaagtcct cgacaaagca cag 33

<210> 2940

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2940

gcccaaatga gcagcaacaa caaaagcgca cag 33

<210> 2941

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2941

gcccaagatg gtactcattt gaagctggca cag 33

<210> 2942

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2942

gcccaaacgg ttattagtga tcagagggca cag 33

<210> 2943

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2943

gcccaaatgc acagccaact cctccccgca cag 33

<210> 2944

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2944

gcccaatcgt cttatgggac tgcggcggca cag 33

<210> 2945

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2945

gcccaagtgt tgtctacgat ggctgttgca cag 33

<210> 2946

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2946

gcccaatcgg cttcgaattt tgcgtctgca cag 33

<210> 2947

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2947

gcccaaagta aggctggtct gagtgatgca cag 33

<210> 2948

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2948

gcccaaatta atcggattgt tagtggggca cag 33

<210> 2949

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2949

gcccaaaaac tcgacacccc cggcaaagca cag 33

<210> 2950

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2950

gcccaaatgg atcgtattgt taagatggca cag 33

<210> 2951

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2951

gcccaaagag aaagaagcac cgacgccgca cag 33

<210> 2952

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2952

gcccaactca gagacagcac cggccacgca cag 33

<210> 2953

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2953

gcccaaatga gaggccaagg cgtccacgca cag 33

<210> 2954

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2954

gcccaaagcg cccaaatgat cagccccgca cag 33

<210> 2955

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2955

gcccaatgga cgaatggtgt tgcgaaggca cag 33

<210> 2956

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2956

gcccaaaccg ccatcagcat ccaagtcgca cag 33

<210> 2957

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2957

gcccaaccga gtggttcgca gtcgcatgca cag 33

<210> 2958

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2958

gcccaaaaca gactcacccc cggcagcgca cag 33

<210> 2959

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2959

gcccaaattg ctcttgagca taggaatgca cag 33

<210> 2960

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2960

gcccaacccg ccagaacccc cccccaagca cag 33

<210> 2961

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2961

gcccaaatgg gcaaaagcaa cggcgtcgca cag 33

<210> 2962

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2962

gcccaaccca tcgtcagaag caccagcgca cag 33

<210> 2963

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2963

gcccaagtca cccaactcag ccccagagca cag 33

<210> 2964

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2964

gcccaaaaag ccctcctccc cctcaccgca cag 33

<210> 2965

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2965

gcccaaagcg gcaacagcag actccaagca cag 33

<210> 2966

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2966

gcccaacgta atcagagtgc gccgcttgca cag 33

<210> 2967

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2967

gcccaaaacc tccaaaacat gatccaagca cag 33

<210> 2968

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2968

gcccaatcgt cgtatgataa gagtcttgca cag 33

<210> 2969

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2969

gcccaagtcc tcgccaacca acaaatcgca cag 33

<210> 2970

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2970

gcccaacgga ctacgaatga gcctactgca cag 33

<210> 2971

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2971

gcccaaatcg tcagcaacca aatgagcgca cag 33

<210> 2972

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2972

gcccaaaatg cgacgcatgc taatgttgca cag 33

<210> 2973

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2973

gcccaaaagg ggaatgagcc gttgcgggca cag 33

<210> 2974

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2974

gcccaactcg gcacctacct cagccccgca cag 33

<210> 2975

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2975

gcccaaacca acgtcctccc cctccccgca cag 33

<210> 2976

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2976

gcccaaaagc tgtcgcatga gcctagtgca cag 33

<210> 2977

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2977

gcccaattcg acaaacaaaa ccccaccgca cag 33

<210> 2978

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2978

gcccaatttg ggggtcgtta tgagaaggca cag 33

<210> 2979

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2979

gcccaaaccg tccaaaacca caccaacgca cag 33

<210> 2980

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2980

gcccaaccgc tgaagccgat gcagacggca cag 33

<210> 2981

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2981

gcccaacaag gcgaaaccaa ccacagagca cag 33

<210> 2982

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2982

gcccaagccc acagcaacat ggtcaacgca cag 33

<210> 2983

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2983

gcccaagtga gtgcgagtag taataaggca cag 33

<210> 2984

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2984

gcccaaacta atcagtcgaa gaattttgca cag 33

<210> 2985

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2985

gcccaaaaga tgaaggatat gagtattgca cag 33

<210> 2986

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2986

gcccaacacc ccagcggcag caccctcgca cag 33

<210> 2987

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2987

gcccaaatta aggatactgt ttctggggca cag 33

<210> 2988

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2988

gcccaaatga acaccctcac caacgtcgca cag 33

<210> 2989

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2989

gcccaaactg atagtgctcc gcatccggca cag 33

<210> 2990

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2990

gcccaaccca gacccgtcag caacggcgca cag 33

<210> 2991

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2991

gcccaatctg ttgataggcg gccgcaggca cag 33

<210> 2992

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2992

gcccaaatgg attctcctat taggaatgca cag 33

<210> 2993

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2993

gcccaagcta cgcgtatgag tattcctgca cag 33

<210> 2994

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2994

gcccaaaacg tccccaccag cctccccgca cag 33

<210> 2995

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2995

gcccaaagcc tcagaatcga aagcaaagca cag 33

<210> 2996

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2996

gcccaaaaca gcggcaacac cctcggcgca cag 33

<210> 2997

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2997

gcccaacggt tggatcatgc tagtattgca cag 33

<210> 2998

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2998

gcccaaagcc acctcgtcgt cagcgccgca cag 33

<210> 2999

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 2999

gcccaacccg ccagccccag aagccacgca cag 33

<210> 3000

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3000

gcccaaaacc acaccctcgt ccccccgca cag 33

<210> 3001

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3001

gcccaaatgc agatgacggg gactgctgca cag 33

<210> 3002

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3002

gcccaaaata ctcaggcgaa tccgagggca cag 33

<210> 3003

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3003

gcccaaacca gagacctcaa cgccatcgca cag 33

<210> 3004

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3004

gcccaaaccg acgccagcag ccccttcgca cag 33

<210> 3005

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3005

gcccaagctg atcagaggca gccgaaggca cag 33

<210> 3006

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3006

gcccaagccg tcaaccccaa ctacgccgca cag 33

<210> 3007

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3007

gcccaactga ctgctacgaa tgttcgggca cag 33

<210> 3008

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3008

gcccaattga ctgcgtctac ttattcggca cag 33

<210> 3009

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3009

gcccaagggt cgcgtgataa ttctgtggca cag 33

<210> 3010

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3010

gcccaaactg atactcagaa tcggcttgca cag 33

<210> 3011

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3011

gcccaaaata gtacggttaa tacgggtgca cag 33

<210> 3012

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3012

gcccaattgt ctcatgcgat gcgttctgca cag 33

<210> 3013

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3013

gcccaacggc tgccgatgac tactatggca cag 33

<210> 3014

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3014

gcccaactct accacgaaag ccaaaccgca cag 33

<210> 3015

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3015

gcccaaattt tgcatcagag ttcgactgca cag 33

<210> 3016

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3016

gcccaaacca gcctcgccac ccaaaccgca cag 33

<210> 3017

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3017

gcccaaagaa cccccaccct caccgtcgca cag 33

<210> 3018

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3018

gcccaagcta cgcgtgagag tcgtacggca cag 33

<210> 3019

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3019

gcccaattgt ctgagagtct gcggattgca cag 33

<210> 3020

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3020

gcccaaagcg tcaccggcgg catggtcgca cag 33

<210> 3021

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3021

gcccaaccca gaaccagcga cagcaacgca cag 33

<210> 3022

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3022

gcccaagttc attctacggt tacgtcggca cag 33

<210> 3023

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3023

gcccaaggca ccaacatgaa ccacctcgca cag 33

<210> 3024

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3024

gcccaaatga aggctgagtt gtatgcggca cag 33

<210> 3025

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3025

gcccaactca gaagccccag cgtcgacgca cag 33

<210> 3026

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3026

gcccaaacca acagccccca attccccgca cag 33

<210> 3027

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3027

gcccaaaata attcgcttag gtcgaatgca cag 33

<210> 3028

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3028

gcccaagaca gccacatggg caaatacgca cag 33

<210> 3029

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3029

gcccaagtta attcgatgac gccgcgggca cag 33

<210> 3030

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3030

gcccaactcg cccccatcag cctcaacgca cag 33

<210> 3031

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3031

gcccaaaata tgccgagtat tatgcaggca cag 33

<210> 3032

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3032

gcccaaggga atatgattaa ggtggcggca cag 33

<210> 3033

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3033

gcccaaaccg gcgtcagcct ccaagtcgca cag 33

<210> 3034

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3034

gcccaacctc agtttaatac tgcgtcggca cag 33

<210> 3035

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3035

gcccaaacgg aggcgtatag gaatactgca cag 33

<210> 3036

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3036

gcccaactta tgaaggctga tactgtggca cag 33

<210> 3037

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3037

gcccaaaatc ataaggagtt tatgcttgca cag 33

<210> 3038

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3038

gcccaattga atgggacttt gactgtggca cag 33

<210> 3039

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3039

gcccaaactg cgaagatttt gacgatggca cag 33

<210> 3040

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3040

gcccaactca gagacagcct ccccgtcgca cag 33

<210> 3041

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3041

gcccaactca aaggcggcga cagctgggca cag 33

<210> 3042

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3042

gcccaaaaaa ccgtcgacat catgggcgca cag 33

<210> 3043

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3043

gcccaactca acatgggcca aatgaaagca cag 33

<210> 3044

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3044

gcccaaagcg tccccagcct cgacagagca cag 33

<210> 3045

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3045

gcccaacagc tgttggggac gagtaaggca cag 33

<210> 3046

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3046

gcccaaatga atcctaagca tggtctggca cag 33

<210> 3047

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3047

gcccaatctc cggagggttc tctgaaggca cag 33

<210> 3048

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3048

gcccaagcga atatgccgaa ttctcgggca cag 33

<210> 3049

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3049

gcccaagcct acatcagcag cggcgtcgca cag 33

<210> 3050

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3050

gcccaagaaa gaggcagcca agccaacgca cag 33

<210> 3051

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3051

gcccaaggtc atgataggct gagtccggca cag 33

<210> 3052

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3052

gcccaaacga gtaatgtgac tggtactgca cag 33

<210> 3053

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3053

gcccaactca cccacaacgt cggcgtcgca cag 33

<210> 3054

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3054

gcccaaaggg aggatggggt ggctaaggca cag 33

<210> 3055

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3055

gcccaacccg ccgacggcta caaactcgca cag 33

<210> 3056

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3056

gcccaacaac tcgacgccac cagagccgca cag 33

<210> 3057

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3057

gcccaagtga ctggtatgac gactcgtgca cag 33

<210> 3058

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3058

gcccaatcgg atagtcggac gtatgaggca cag 33

<210> 3059

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3059

gcccaagttg agccgctgaa gccggatgca cag 33

<210> 3060

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3060

gcccaaggcg tcctcgccag caacagagca cag 33

<210> 3061

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3061

gcccaaatgg gcgaaagaat gagcatcgca cag 33

<210> 3062

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3062

gcccaattta cgaagactga ggatttggca cag 33

<210> 3063

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3063

gcccaagtca aaaacaccga actcctcgca cag 33

<210> 3064

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3064

gcccaaactg ttacgagtac ggtggtggca cag 33

<210> 3065

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3065

gcccaagcca aatacggcga ccccaccgca cag 33

<210> 3066

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3066

gcccaaacca gcgacagact cctcggcgca cag 33

<210> 3067

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3067

gcccaagctg ttgggaatac taagatggca cag 33

<210> 3068

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3068

gcccaacaga cgtataataa gatggatgca cag 33

<210> 3069

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3069

gcccaagcgt gggctagtca gtcttcggca cag 33

<210> 3070

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3070

gcccaaaatg cgtttcttac tggtggggca cag 33

<210> 3071

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3071

gcccaaagca tcggcgacaa atacaccgca cag 33

<210> 3072

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3072

gcccaatcga atcatcatca tactggggca cag 33

<210> 3073

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3073

gcccaaatca ccaacaaacc catgaccgca cag 33

<210> 3074

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3074

gcccaactca gcggccaagt cagcaacgca cag 33

<210> 3075

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3075

gcccaaaata gtatgtcggg gcatttggca cag 33

<210> 3076

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3076

gcccaacctg cggtgcatgg ttatgctgca cag 33

<210> 3077

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3077

gcccaactca tgagaaccaa acaacccgca cag 33

<210> 3078

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3078

gcccaaagca gcctcgccgt caacaaagca cag 33

<210> 3079

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3079

gcccaaaata cgcagtcgga gcctcgtgca cag 33

<210> 3080

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3080

gcccaagatc atctggttag tgttcctgca cag 33

<210> 3081

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3081

gcccaatggg ccaccagcac ccacgacgca cag 33

<210> 3082

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3082

gcccaacccc aacaacaacc catcggcgca cag 33

<210> 3083

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3083

gcccaaagcc tcagcaccca cagcgacgca cag 33

<210> 3084

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3084

gcccaaggca gcatggccgc cagaagcgca cag 33

<210> 3085

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3085

gcccaagccc ccggcatgac cgccagagca cag 33

<210> 3086

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3086

gcccaagtcc tcgccaacat gaccgccgca cag 33

<210> 3087

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3087

gcccaactca ccaaacaaga aagcgccgca cag 33

<210> 3088

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3088

gcccaaggcg ccaacagcgg cggcgtcgca cag 33

<210> 3089

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3089

gcccaacaga gtgagccgaa gcgtcctgca cag 33

<210> 3090

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3090

gcccaagtcc acggcgaaag aagcgtcgca cag 33

<210> 3091

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3091

gcccaagcgc atcagactgc tgcttctgca cag 33

<210> 3092

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3092

gcccaagttc gggagatgca gacggcggca cag 33

<210> 3093

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3093

gcccaagtcg cccccagcgc cctccacgca cag 33

<210> 3094

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3094

gcccaaagtg ttggtcatca taatatggca cag 33

<210> 3095

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3095

gcccaattcc tcacccaagg cgacgtcgca cag 33

<210> 3096

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3096

gcccaattca gcacccaatt ccaacacgca cag 33

<210> 3097

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3097

gcccaacaga atacgacgcg gtcgaatgca cag 33

<210> 3098

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3098

gcccaacccg ccgtcaccag catcgccgca cag 33

<210> 3099

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3099

gcccaagcca gcaccaacac ctacgtcgca cag 33

<210> 3100

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3100

gcccaatcga cggctacgcc tacgtcggca cag 33

<210> 3101

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3101

gcccaacatt ttaataggac gtcgcctgca cag 33

<210> 3102

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3102

gcccaaagcg tcgccggcat gctccccgca cag 33

<210> 3103

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3103

gcccaaccta tgagttctga gagtagtgca cag 33

<210> 3104

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3104

gcccaaagcc tcgccagcac caccgtcgca cag 33

<210> 3105

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3105

gcccaaactt ctactcctgc tcaggttgca cag 33

<210> 3106

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3106

gcccaaagtc tgacggcgca gcagcctgca cag 33

<210> 3107

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3107

gcccaaagtg gtcgtgtgcc tgtggctgca cag 33

<210> 3108

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3108

gcccaactcg acgccgccaa aagcctcgca cag 33

<210> 3109

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3109

gcccaaaact tcgccaacaa aaacgtcgca cag 33

<210> 3110

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3110

gcccaaggcc ccgccagcgt cacccccgca cag 33

<210> 3111

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3111

gcccaatatt ctcgggaggc gacgaatgca cag 33

<210> 3112

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3112

gcccaaaccg gcagcagctt cgccatggca cag 33

<210> 3113

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3113

gcccaaggga ttaaggggga tccggttgca cag 33

<210> 3114

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3114

gcccaagtca ccagcaccag ccacgccgca cag 33

<210> 3115

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3115

gcccaaacca gccaaaacaa cctcagagca cag 33

<210> 3116

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3116

gcccaaatga gacaagaagg cctcagcgca cag 33

<210> 3117

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3117

gcccaactca acctcaacgc catcgccgca cag 33

<210> 3118

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3118

gcccaaagta agaatgaggg gcctactgca cag 33

<210> 3119

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3119

gcccaagatt ctcgttctac gactaatgca cag 33

<210> 3120

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3120

gcccaaagca ccggcgacgc cctcagagca cag 33

<210> 3121

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3121

gcccaaatta ataagcctgg tacgcctgca cag 33

<210> 3122

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3122

gcccaagttt cggctccttt gaatattgca cag 33

<210> 3123

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3123

gcccaagttt ctttgggttc gcttgcggca cag 33

<210> 3124

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3124

gcccaactca accacatcaa cgaaaaagca cag 33

<210> 3125

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3125

gcccaaaagt cggtgacgat tctttcggca cag 33

<210> 3126

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3126

gcccaatcta atgtgtcgtc gcttgttgca cag 33

<210> 3127

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3127

gcccaatttt cgcagactgt tgggggggca cag 33

<210> 3128

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3128

gcccaacgtc cgtctattac gcatgatgca cag 33

<210> 3129

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3129

gcccaaagac aagaaagcac caccctcgca cag 33

<210> 3130

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3130

gcccaagggc cttatgtgac tcctcaggca cag 33

<210> 3131

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3131

gcccaaaacg gcctcgtcac caccgccgca cag 33

<210> 3132

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3132

gcccaacacg ccggcaacgt ccccggcgca cag 33

<210> 3133

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3133

gcccaaccca tgggcaacaa cctcgtcgca cag 33

<210> 3134

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3134

gcccaagtct acaacgacag aagccacgca cag 33

<210> 3135

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3135

gcccaaaccc acaaagaaag cggctacgca cag 33

<210> 3136

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3136

gcccaaggca tgaacagcgt cctcctcgca cag 33

<210> 3137

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3137

gcccaatacc tcgaaaacca atacagcgca cag 33

<210> 3138

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3138

gcccaatcta ttacgtcgag gcctaatgca cag 33

<210> 3139

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3139

gcccaaagcc accaaaacac cgccagagca cag 33

<210> 3140

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3140

gcccaacgtt tggttcagtc tgcggaggca cag 33

<210> 3141

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3141

gcccaatacc ccaaaagcgc caccaacgca cag 33

<210> 3142

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3142

gcccaaatta attcttctcc gccgctggca cag 33

<210> 3143

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3143

gcccaaactc agaatctggc gggtggtgca cag 33

<210> 3144

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3144

gcccaattcc aagtcgccaa agacagagca cag 33

<210> 3145

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3145

gcccaacggc tgagtggtaa tcagaatgca cag 33

<210> 3146

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3146

gcccaaacta cggatcgggt gtcgcatgca cag 33

<210> 3147

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3147

gcccaaactg ctactgtgac ggctcgggca cag 33

<210> 3148

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3148

gcccaactca gcatgatgag cgacaaagca cag 33

<210> 3149

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3149

gcccaaactc tgattcagac tagtccggca cag 33

<210> 3150

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3150

gcccaaccga tgcatattac gaatgctgca cag 33

<210> 3151

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3151

gcccaaaccg tcggccaacc cgcccacgca cag 33

<210> 3152

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3152

gcccaagaag acaaagacgt cagactcgca cag 33

<210> 3153

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3153

gcccaaatga aggttgcgca gcctatggca cag 33

<210> 3154

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3154

gcccaagtgg gggtgcctaa tctgccggca cag 33

<210> 3155

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3155

gcccaagcgc cgctgagtag tgatccggca cag 33

<210> 3156

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3156

gcccaattcc tccacgccag cgtcgacgca cag 33

<210> 3157

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3157

gcccaaccta ctgtggggac gtatattgca cag 33

<210> 3158

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3158

gcccaagagc ctctgcatag gaattctgca cag 33

<210> 3159

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3159

gcccaagcca gcaccgtcac cgtcgaagca cag 33

<210> 3160

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3160

gcccaagccc ccagaatcga caacgccgca cag 33

<210> 3161

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3161

gcccaatatc gtgattcggc tgctcctgca cag 33

<210> 3162

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3162

gcccaactca cccaaaacgc cagcgtcgca cag 33

<210> 3163

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3163

gcccaattga gtgctcgttt gacgactgca cag 33

<210> 3164

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3164

gcccaaaacg gcaaaagcag cgacaaagca cag 33

<210> 3165

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3165

gcccaagcgc tggtgaagga tactactgca cag 33

<210> 3166

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3166

gcccaaatgc tcgtcaccac cggcgaagca cag 33

<210> 3167

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3167

gcccaaagcg gcaaccccag ctacgccgca cag 33

<210> 3168

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3168

gcccaagtca tcaccggcgg catgagcgca cag 33

<210> 3169

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3169

gcccaactcg aacccaacgt ccaaaccgca cag 33

<210> 3170

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3170

gcccaaagat tcagcgaagt cacccccgca cag 33

<210> 3171

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3171

gcccaagatc cggggaaggc gagtctggca cag 33

<210> 3172

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3172

gcccaaatcg cccacgaaag caccgacgca cag 33

<210> 3173

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3173

gcccaatatc ctagtaattc tatgcatgca cag 33

<210> 3174

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3174

gcccaaagca ccacccccc cagcggcgca cag 33

<210> 3175

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3175

gcccaagttg agcagaattc taagaatgca cag 33

<210> 3176

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3176

gcccaaacga ttgcgggtcg gcttgtggca cag 33

<210> 3177

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3177

gcccaagcta ggcatacggg tgagatggca cag 33

<210> 3178

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3178

gcccaacagc atctgccgaa tcatattgca cag 33

<210> 3179

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3179

gcccaaacta ctatggggac ttatcctgca cag 33

<210> 3180

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3180

gcccaaaccg aaagcgtcat gcccagagca cag 33

<210> 3181

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3181

gcccaaggcg ccaaacccag caacgacgca cag 33

<210> 3182

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3182

gcccaagccg tcagcagcga catgagcgca cag 33

<210> 3183

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3183

gcccaacaca gcccccaact cggcggcgca cag 33

<210> 3184

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3184

gcccaattgt atactaatcc taatactgca cag 33

<210> 3185

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3185

gcccaaaccg tcgccctcaa catggccgca cag 33

<210> 3186

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3186

gcccaacagc gggttcctgc ttatcaggca cag 33

<210> 3187

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3187

gcccaaagtg atgtttctaa ggtttatgca cag 33

<210> 3188

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3188

gcccaatcga atacggggga gcaggttgca cag 33

<210> 3189

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3189

gcccaattca ccaccggcct caaccacgca cag 33

<210> 3190

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3190

gcccaaaacg acacccaata caaacacgca cag 33

<210> 3191

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3191

gcccaagtcc acgacgtcaa aggcatcgca cag 33

<210> 3192

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3192

gcccaatatg gtggtaggga tagttatgca cag 33

<210> 3193

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3193

gcccaacata gtactgcgac tactcatgca cag 33

<210> 3194

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3194

gcccaacctt cgcctactac tcggactgca cag 33

<210> 3195

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3195

gcccaagggc atgcggaggc ggcgatggca cag 33

<210> 3196

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3196

gcccaaagcc tcagcaccag acccgtcgca cag 33

<210> 3197

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3197

gcccaatctc cggtgcctgg taagcctgca cag 33

<210> 3198

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3198

gcccaaacca gaatcaacag ccccctcgca cag 33

<210> 3199

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3199

gcccaagagt ctacgtatgc gaagctggca cag 33

<210> 3200

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3200

gcccaacaaa tcaaccaagg caccagagca cag 33

<210> 3201

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3201

gcccaaggca gcagaaccgg cagcatcgca cag 33

<210> 3202

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3202

gcccaaggga atgcttcttg gtcggctgca cag 33

<210> 3203

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3203

gcccaagcgg ctcatgatat tggtaaggca cag 33

<210> 3204

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3204

gcccaaaagg ataggccttt tgtggaggca cag 33

<210> 3205

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3205

gcccaactcc cccacaccaa acccttcgca cag 33

<210> 3206

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3206

gcccaacctg ggaagggtgt gtctcttgca cag 33

<210> 3207

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3207

gcccaagaca gacaaaacgc cagcgccgca cag 33

<210> 3208

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3208

gcccaagtcc aacccagcct cagcgtcgca cag 33

<210> 3209

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3209

gcccaaaagc ctacgccgat tgagtttgca cag 33

<210> 3210

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3210

gcccaactgc ttcatgatat gaagagtgca cag 33

<210> 3211

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3211

gcccaaaaca gcgacagaac cctcagcgca cag 33

<210> 3212

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3212

gcccaaaagg ttgggcatgg gtttaatgca cag 33

<210> 3213

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3213

gcccaaacga agcctgcggt tagttttgca cag 33

<210> 3214

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3214

gcccaagcta tgacgaatat tccgaaggca cag 33

<210> 3215

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3215

gcccaatttt cgcatatgtc tttgccggca cag 33

<210> 3216

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3216

gcccaagggt ctgtgcggga taatccggca cag 33

<210> 3217

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3217

gcccaaagta gttcgcaggg gccgactgca cag 33

<210> 3218

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3218

gcccaacttg tggggcggcc ggttacggca cag 33

<210> 3219

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3219

gcccaaatca actacggcgt ccaaaaagca cag 33

<210> 3220

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3220

gcccaaatta ataaggataa taatcaggca cag 33

<210> 3221

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3221

gcccaaagtg gtcagtcttc tgctatggca cag 33

<210> 3222

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3222

gcccaagaat acaacagcac caaactcgca cag 33

<210> 3223

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3223

gcccaattta tgacgctgga gcgggcggca cag 33

<210> 3224

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3224

gcccaattcg gcaaagacta cgtcaacgca cag 33

<210> 3225

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3225

gcccaactcc tcctcggcgg cacccccgca cag 33

<210> 3226

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3226

gcccaaacca ccacctacac cagaaacgca cag 33

<210> 3227

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3227

gcccaagatc ggggtatgcg gggggctgca cag 33

<210> 3228

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3228

gcccaagcgg tttcgggtac gcgtacggca cag 33

<210> 3229

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3229

gcccaaaact tcagcggcgt cgccaaagca cag 33

<210> 3230

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3230

gcccaagatc ggaataatag tatttcggca cag 33

<210> 3231

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3231

gcccaaatcc cccaaagacc cctcgacgca cag 33

<210> 3232

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3232

gcccaacctg ctgcgaatca gtatgttgca cag 33

<210> 3233

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3233

gcccaataca gcggcaccgc catcagagca cag 33

<210> 3234

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3234

gcccaatggg ttcagcggac tgagagtgca cag 33

<210> 3235

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3235

gcccaaccca aagacggcgg cgccatcgca cag 33

<210> 3236

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3236

gcccaacttg ctactccgca ggaggaggca cag 33

<210> 3237

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3237

gcccaactga atagtccggt tatggcggca cag 33

<210> 3238

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3238

gcccaagggg ctactgggac gagggctgca cag 33

<210> 3239

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3239

gcccaacgga cggatgtgcg gacgaatgca cag 33

<210> 3240

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3240

gcccaaagaa acctcgccca cccctacgca cag 33

<210> 3241

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3241

gcccaactca gcaccagcta cagcaccgca cag 33

<210> 3242

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3242

gcccaaggcg tcaaccaaac cgccagagca cag 33

<210> 3243

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3243

gcccaacttc cggctagttc ggctagggca cag 33

<210> 3244

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3244

gcccaacaac tctacagcgt caacgccgca cag 33

<210> 3245

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3245

gcccaagttg ggacgtatac tgctacggca cag 33

<210> 3246

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3246

gcccaaagaa gcatgaccgt catcgaagca cag 33

<210> 3247

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3247

gcccaatttg ggcgtggtga tacgggtgca cag 33

<210> 3248

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3248

gcccaagccg ccggcagaag caaccccgca cag 33

<210> 3249

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3249

gcccaaatgc ctcagtcgag tcttgctgca cag 33

<210> 3250

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3250

gcccaaccgt ctaagcatga gcggtatgca cag 33

<210> 3251

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3251

gcccaattgt ttgattcttc taagactgca cag 33

<210> 3252

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3252

gcccaaagcc cccaacccag actcagcgca cag 33

<210> 3253

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3253

gcccaaagaa gacccgacgt cgaaaacgca cag 33

<210> 3254

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3254

gcccaaccga tgggtagtgc gggtagtgca cag 33

<210> 3255

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3255

gcccaatgga gcaccggcat gaccagcgca cag 33

<210> 3256

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3256

gcccaaggcc tcgtcagaaa cggcgtcgca cag 33

<210> 3257

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3257

gcccaagagg ggtcgtatag tacgtctgca cag 33

<210> 3258

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3258

gcccaagcca ccagcatgct cacccacgca cag 33

<210> 3259

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3259

gcccaaagca ccaccggccc ccccagcgca cag 33

<210> 3260

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3260

gcccaacgtg gggcgtcggt gtctatggca cag 33

<210> 3261

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3261

gcccaagtcc acgaacacgg cgccagcgca cag 33

<210> 3262

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3262

gcccaacatt ctccttctca gccgagggca cag 33

<210> 3263

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3263

gcccaaggca tcggccaaaa caccgccgca cag 33

<210> 3264

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3264

gcccaacaca gagtcgaaaa cagctacgca cag 33

<210> 3265

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3265

gcccaaactg agtttaagcc tccgtcggca cag 33

<210> 3266

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3266

gcccaatatg gtaatttggg ggttaatgca cag 33

<210> 3267

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3267

gcccaactca ccagagtcct caccggcgca cag 33

<210> 3268

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3268

gcccaaatga aaaacagcaa cggcgccgca cag 33

<210> 3269

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3269

gcccaaggca cccaaaccca cctccaagca cag 33

<210> 3270

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3270

gcccaaaatg cgcttgctag gacgatggca cag 33

<210> 3271

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3271

gcccaaaata attctatgca gacggtggca cag 33

<210> 3272

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3272

gcccaacaac aaggcaacgg cagaagcgca cag 33

<210> 3273

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3273

gcccaactca ccaaaagcca aggctacgca cag 33

<210> 3274

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3274

gcccaagccc ccgccgaacc caaaaccgca cag 33

<210> 3275

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3275

gcccaatata gtaatcaggt gagtaatgca cag 33

<210> 3276

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3276

gcccaaactc gtacggggtt ttctcctgca cag 33

<210> 3277

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3277

gcccaacccg tctacaaaac cgacgacgca cag 33

<210> 3278

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3278

gcccaatctg ataggccggc tcctgaggca cag 33

<210> 3279

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3279

gcccaagttc aggagaagtc gaggcctgca cag 33

<210> 3280

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3280

gcccaaagcg gcggcctcac cgaaagagca cag 33

<210> 3281

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3281

gcccaaagcg gcggcaccag agaaggcgca cag 33

<210> 3282

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3282

gcccaagccg tccccggcga aaccagagca cag 33

<210> 3283

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3283

gcccaaccgc ggccggagag gatgtatgca cag 33

<210> 3284

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3284

gcccaaagca acggcaacat cagcagagca cag 33

<210> 3285

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3285

gcccaagcca gaaccgaaag aaaccaagca cag 33

<210> 3286

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3286

gcccaaagtc ctcagcagtt ttcgaaggca cag 33

<210> 3287

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3287

gcccaaagca ccggcccctt cccccaagca cag 33

<210> 3288

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3288

gcccaagcca acatcggcac cagcaccgca cag 33

<210> 3289

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3289

gcccaataca gagacaacac cagcggcgca cag 33

<210> 3290

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3290

gcccaagtgc agactaggtc tccgatggca cag 33

<210> 3291

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3291

gcccaaatcc acaccagcat cgtcgacgca cag 33

<210> 3292

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3292

gcccaaatga ctcggactag tagtgaggca cag 33

<210> 3293

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3293

gcccaaccgt cgaattttcc tgggtctgca cag 33

<210> 3294

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3294

gcccaaatga tcggcggcac ccaaagcgca cag 33

<210> 3295

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3295

gcccaaaagc ttgataagca tgagtctgca cag 33

<210> 3296

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3296

gcccaactta cgagtagtaa tagtgctgca cag 33

<210> 3297

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3297

gcccaaagta ctcgtgatac tcattttgca cag 33

<210> 3298

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3298

gcccaagata cgttgaaggc tgttagggca cag 33

<210> 3299

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3299

gcccaacagc gtaatccgtc gcttcatgca cag 33

<210> 3300

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3300

gcccaatcgg gtgatgggaa tcgttcggca cag 33

<210> 3301

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3301

gcccaaggcg tctacaaaac cctccacgca cag 33

<210> 3302

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3302

gcccaaatta attcgaatca ggtgagtgca cag 33

<210> 3303

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3303

gcccaacact acaacgaaca catgaccgca cag 33

<210> 3304

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3304

gcccaaactg tgcaggttcg tgatcgggca cag 33

<210> 3305

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3305

gcccaaggca acgacatcag aagcagagca cag 33

<210> 3306

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3306

gcccaagtca gcgtcagcat gggccccgca cag 33

<210> 3307

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3307

gcccaattca aaaccaacat cagcgccgca cag 33

<210> 3308

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3308

gcccaatttc cgaaggtgga gaggtatgca cag 33

<210> 3309

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3309

gcccaactta gtaagtttca gactacggca cag 33

<210> 3310

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3310

gcccaaagcc tcatgaacag cagaagcgca cag 33

<210> 3311

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3311

gcccaagggc gtggggtgct ggagtctgca cag 33

<210> 3312

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3312

gcccaaccta atgggtcgca gatgattgca cag 33

<210> 3313

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3313

gcccaaccca ccgtcggcaa cagctacgca cag 33

<210> 3314

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3314

gcccaaagca gcgacatcat gaaagccgca cag 33

<210> 3315

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3315

gcccaactga tgactagtgc tggtcgtgca cag 33

<210> 3316

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3316

gcccaacccg ccatgagcag cagcagagca cag 33

<210> 3317

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3317

gcccaacgtg ataaggcgat ttcgacggca cag 33

<210> 3318

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3318

gcccaattga ctttgaagca ggggattgca cag 33

<210> 3319

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3319

gcccaatctc atgctaatgg gtttagtgca cag 33

<210> 3320

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3320

gcccaaccga atttgaaggc tccgcaggca cag 33

<210> 3321

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3321

gcccaaagct acggcagaga agtcagagca cag 33

<210> 3322

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3322

gcccaaaacg acacccaaag ccccaaagca cag 33

<210> 3323

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3323

gcccaagacg aaagagcccc caaacacgca cag 33

<210> 3324

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3324

gcccaaaacg gcagacccat gggcatggca cag 33

<210> 3325

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3325

gcccaacata ctcagtctgt gactatggca cag 33

<210> 3326

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3326

gcccaaaaca acttcaacgc cagcctcgca cag 33

<210> 3327

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3327

gcccaagaat acctcaaagg cagcgccgca cag 33

<210> 3328

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3328

gcccaatcta agacgcctga tatgttggca cag 33

<210> 3329

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3329

gcccaagtca acaccggcca cgtcagagca cag 33

<210> 3330

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3330

gcccaaggtt ctcagtcgga tgcgcgtgca cag 33

<210> 3331

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3331

gcccaatctt tgacttttc taaggatgca cag 33

<210> 3332

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3332

gcccaaaacg ccctcgaaag cagaatggca cag 33

<210> 3333

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3333

gcccaaaacg gcatcgccag agaacccgca cag 33

<210> 3334

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3334

gcccaaaacc tcgtcagcgt cagcaccgca cag 33

<210> 3335

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3335

gcccaagaca tgctcagcta caaacccgca cag 33

<210> 3336

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3336

gcccaaagaa gcaccgacag catgaccgca cag 33

<210> 3337

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3337

gcccaagaga tgaatcatag tctttctgca cag 33

<210> 3338

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3338

gcccaagccc tcagcaaaga agccagcgca cag 33

<210> 3339

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3339

gcccaaaacg gccacaacat gagccaagca cag 33

<210> 3340

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3340

gcccaaacca ccgccgaagc caccagagca cag 33

<210> 3341

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3341

gcccaaagag aaagcgccca ccacaacgca cag 33

<210> 3342

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3342

gcccaaatgt ttacggggaa tgggcaggca cag 33

<210> 3343

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3343

gcccaacatc ttcagacgcc gccggctgca cag 33

<210> 3344

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3344

gcccaatcgc ttgtgggtca gggtaaggca cag 33

<210> 3345

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3345

gcccaactcc ccctcacccc catcgccgca cag 33

<210> 3346

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3346

gcccaagcta tgaagcagtc gtctattgca cag 33

<210> 3347

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3347

gcccaatatc ctacgaatgt gaagtcggca cag 33

<210> 3348

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3348

gcccaaagca acagcctccc cagcagagca cag 33

<210> 3349

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3349

gcccaaccga cggcggctac tgggacggca cag 33

<210> 3350

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3350

gcccaaatcg cccaaaacgg ccccggcgca cag 33

<210> 3351

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3351

gcccaaacta ctcatcagct tactccggca cag 33

<210> 3352

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3352

gcccaacttа ttcctgcgag ggatgtggca cag 33

<210> 3353

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3353

gcccaaaaaa tcgcccacgg cgacatcgca cag 33

<210> 3354

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3354

gcccaagcca gaccccaaag cgacaaagca cag 33

<210> 3355

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3355

gcccaaccca gacccaacgt cctcgacgca cag 33

<210> 3356

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3356

gcccaactca acaaaggcag cagcaacgca cag 33

<210> 3357

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3357

gcccaacggg tttataatgg tgatctggca cag 33

<210> 3358

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3358

gcccaaaccg tccccgccaa cagcagcgca cag 33

<210> 3359

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3359

gcccaaacca gacacaccag cctcaccgca cag 33

<210> 3360

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3360

gcccaaaatc atgcggtgac gaattctgca cag 33

<210> 3361

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3361

gcccaattgg cgtcgcattc tacgcttgca cag 33

<210> 3362

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3362

gcccaagtcg ccttcaaaag cggcatcgca cag 33

<210> 3363

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3363

gcccaaagag tcggccccga aagcagcgca cag 33

<210> 3364

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3364

gcccaagccc ccagcaacgt ccacaccgca cag 33

<210> 3365

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3365

gcccaaacta ggtcggaggt gatgaaggca cag 33

<210> 3366

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3366

gcccaattga aggagcagca tggtggggca cag 33

<210> 3367

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3367

gcccaaaagg cggagtcgca tgcgacggca cag 33

<210> 3368

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3368

gcccaatata ggacggatat gctgagtgca cag 33

<210> 3369

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3369

gcccaagata cgcaggggag gatgcgggca cag 33

<210> 3370

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3370

gcccaatgtc ttcctaaggg ttgtacggca cag 33

<210> 3371

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3371

gcccaaggca gccccaccgt cgtccacgca cag 33

<210> 3372

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3372

gcccaattgt cgctttctac gcagagggca cag 33

<210> 3373

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3373

gcccaaaaca tggcccaaaa cgccagagca cag 33

<210> 3374

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3374

gcccaactca gcaccaacgt cctcctcgca cag 33

<210> 3375

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3375

gcccaaactt cgcctgttat tcgtactgca cag 33

<210> 3376

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3376

gcccaaccta gtgctggtca tgttttggca cag 33

<210> 3377

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3377

gcccaactgt ctggtacggc tacttcggca cag 33

<210> 3378

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3378

gcccaaacgg gtaatccgaa tccgactgca cag 33

<210> 3379

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3379

gcccaacaat tcgaacacag cctccccgca cag 33

<210> 3380

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3380

gcccaactca cccccggcca aatcagagca cag 33

<210> 3381

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3381

gcccaactga tgaatgcgaa gacgacggca cag 33

<210> 3382

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3382

gcccaacaaa gagacaccaa catggccgca cag 33

<210> 3383

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3383

gcccaaaacc tcctcgaaat cggcagagca cag 33

<210> 3384

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3384

gcccaagacg tcaaagacaa acaaatcgca cag 33

<210> 3385

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3385

gcccaagtga ctatttcgaa taagcctgca cag 33

<210> 3386

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3386

gcccaaagca cccccatcaa cagcagagca cag 33

<210> 3387

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3387

gcccaaggca cccacggcct caccagcgca cag 33

<210> 3388

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3388

gcccaacagt ctccggggat gattcatgca cag 33

<210> 3389

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3389

gcccaacaaa ccggccccgt cctcagcgca cag 33

<210> 3390

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3390

gcccaaactt atgtgtcgtc tggtccggca cag 33

<210> 3391

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3391

gcccaaacca gcaccctccc cagactcgca cag 33

<210> 3392

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3392

gcccaataca cccacaaaga caacgacgca cag 33

<210> 3393

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3393

gcccaactcg gcgcccaaag caccctcgca cag 33

<210> 3394

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3394

gcccaattgg cgcaggttag gcctgctgca cag 33

<210> 3395

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3395

gcccaaggca gagtcgtcgc cagcaacgca cag 33

<210> 3396

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3396

gcccaaagta atcgggttag ggatcttgca cag 33

<210> 3397

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3397

gcccaagaaa gagacagaga aaaactcgca cag 33

<210> 3398

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3398

gcccaaaagt ctgggacgag ttctactgca cag 33

<210> 3399

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3399

gcccaagctg gtcagagtac tatttatgca cag 33

<210> 3400

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3400

gcccaagagt tttcgcagcc gaggctggca cag 33

<210> 3401

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3401

gcccaaacgt atgcgaggtc ggataaggca cag 33

<210> 3402

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3402

gcccaaggca aattcaacgg ccacaccgca cag 33

<210> 3403

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3403

gcccaacggt tgattagtaa tgggaatgca cag 33

<210> 3404

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3404

gcccaattga aggagtcgtt ggggcctgca cag 33

<210> 3405

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3405

gcccaaaaca gacacaccct cgccgtcgca cag 33

<210> 3406

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3406

gcccaaagag acaccagact cagcgccgca cag 33

<210> 3407

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3407

gcccaagtca gcagactcgg cagcatcgca cag 33

<210> 3408

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3408

gcccaattga ctacgtcggt gatttcggca cag 33

<210> 3409

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3409

gcccaattta agggggtggc tcatattgca cag 33

<210> 3410

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3410

gcccaaaaga cgacggaggc tcttcctgca cag 33

<210> 3411

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3411

gcccaacgta atcagcatga tactactgca cag 33

<210> 3412

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3412

gcccaaaata agcttctgcc tcgtagtgca cag 33

<210> 3413

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3413

gcccaagtca acagccacga aagagccgca cag 33

<210> 3414

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3414

gcccaagcga agggtagtct gaatatggca cag 33

<210> 3415

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3415

gcccaagtta agactgatcg ggttctggca cag 33

<210> 3416

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3416

gcccaaccgc gttcggatca gattagggca cag 33

<210> 3417

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3417

gcccaaaaca gagtcggcac cgaaagagca cag 33

<210> 3418

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3418

gcccaaggcg tccccaccgc cggcaccgca cag 33

<210> 3419

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3419

gcccaaagcc tcatgaaaca aagccacgca cag 33

<210> 3420

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3420

gcccaaggca ccagcagcaa catcatggca cag 33

<210> 3421

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3421

gcccaacttc ggagtgatat tagtactgca cag 33

<210> 3422

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3422

gcccaaatga ccaccggcag agacctcgca cag 33

<210> 3423

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3423

gcccaaagtg gtgttgcgaa tagttatgca cag 33

<210> 3424

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3424

gcccaagcgg ttccgtctta taataatgca cag 33

<210> 3425

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3425

gcccaactca acggcggcaa cagccccgca cag 33

<210> 3426

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3426

gcccaaaaca gccacagcac cagctgggca cag 33

<210> 3427

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3427

gcccaaatgt atcatacggg gcaggtggca cag 33

<210> 3428

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3428

gcccaaagag acaaactcta catcgccgca cag 33

<210> 3429

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3429

gcccaaagga agtcggaggc ggttcttgca cag 33

<210> 3430

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3430

gcccaacata agggtattca ggtgattgca cag 33

<210> 3431

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3431

gcccaaattg ggaaggatgc tccgaaggca cag 33

<210> 3432

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3432

gcccaaagcc tcgccggcct ccaagacgca cag 33

<210> 3433

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3433

gcccaattta gggtgtctgt tgctgaggca cag 33

<210> 3434

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3434

gcccaaaccc acaaagaaca cagcatcgca cag 33

<210> 3435

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3435

gcccaaaaca gcaaccacac ctacagagca cag 33

<210> 3436

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3436

gcccaattta atggggttcg tacggtggca cag 33

<210> 3437

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3437

gcccaacaca tgggcatgag agacggcgca cag 33

<210> 3438

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3438

gcccaagggc agcagtctat ggcggtggca cag 33

<210> 3439

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3439

gcccaatggt cgagtcaggt taatcgtgca cag 33

<210> 3440

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3440

gcccaaggtt cgcatgttgg gatgccggca cag 33

<210> 3441

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3441

gcccaaaagg ggtcgttgac tgctagtgca cag 33

<210> 3442

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3442

gcccaaggcg cccaaagcaa catcgtcgca cag 33

<210> 3443

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3443

gcccaaaatg attataatca tacgcgtgca cag 33

<210> 3444

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3444

gcccaacaaa tcaaccccag cagcgtcgca cag 33

<210> 3445

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3445

gcccaagcgt tgcgtggtgc gtctaatgca cag 33

<210> 3446

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3446

gcccaaagtg cttcgactat gtcgtttgca cag 33

<210> 3447

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3447

gcccaactca gcagcaacaa caacaacgca cag 33

<210> 3448

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3448

gcccaatcta cgacgctggc gtcgaaggca cag 33

<210> 3449

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3449

gcccaacaca gaatgctcga cggcgtcgca cag 33

<210> 3450

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3450

gcccaaagca gcgaaagcag cacccccgca cag 33

<210> 3451

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3451

gcccaattgt atgattctag tcatagtgca cag 33

<210> 3452

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3452

gcccaaggta attataattt gagtgtggca cag 33

<210> 3453

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3453

gcccaaatgc ataatgttgc tacggtggca cag 33

<210> 3454

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3454

gcccaaacca actacggcga cagcgtcgca cag 33

<210> 3455

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3455

gcccaaaatc gtggggagga tgcgcgggca cag 33

<210> 3456

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3456

gcccaatttg gtaagacggc ggctactgca cag 33

<210> 3457

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3457

gcccaaaata cgaaggttaa tactgaggca cag 33

<210> 3458

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3458

gcccaagtca ccggccacct cagcagcgca cag 33

<210> 3459

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3459

gcccaagtgg ctacttcgca tttgaaggca cag 33

<210> 3460

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3460

gcccaataca cccccggcag cgacagagca cag 33

<210> 3461

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3461

gcccaaggct tcaccaccgt cacccacgca cag 33

<210> 3462

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3462

gcccaagccg ccgccaccag caccaccgca cag 33

<210> 3463

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3463

gcccaagcga atattcatgt tcatggtgca cag 33

<210> 3464

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3464

gcccaatata gtttgcgggg taatgatgca cag 33

<210> 3465

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3465

gcccaaattg atcagattgt gcagcgtgca cag 33

<210> 3466

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3466

gcccaattca acagcgacct cgccatggca cag 33

<210> 3467

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3467

gcccaaaata tggagtcgca gcgttatgca cag 33

<210> 3468

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3468

gcccaaccgc tttctagttc gctttcggca cag 33

<210> 3469

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3469

gcccaacagg gtacgcttca tgctgaggca cag 33

<210> 3470

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3470

gcccaacccg acagagccac cgccctcgca cag 33

<210> 3471

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3471

gcccaagcca acggcaaaat ccaactcgca cag 33

<210> 3472

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3472

gcccaataca gcaaagacag acacgacgca cag 33

<210> 3473

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3473

gcccaagaca gcaccagcag agcctgggca cag 33

<210> 3474

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3474

gcccaaggcc tcagcgtcgc catccccgca cag 33

<210> 3475

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3475

gcccaatcgt atcttactaa tcatgtggca cag 33

<210> 3476

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3476

gcccaagtta ttacgcataa tatgcctgca cag 33

<210> 3477

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3477

gcccaaaaca gaacccacgt cccccaagca cag 33

<210> 3478

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3478

gcccaactcc aaaccaccag agccgtcgca cag 33

<210> 3479

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3479

gcccaagccc ccaacgccat cgacgtcgca cag 33

<210> 3480

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3480

gcccaagtca gagacaacac cgtctacgca cag 33

<210> 3481

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3481

gcccaaactc gtattgggac gtcgttggca cag 33

<210> 3482

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3482

gcccaaaccc tcaccagcgg caacgtcgca cag 33

<210> 3483

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3483

gcccaacatc ttgatactat gcggggtgca cag 33

<210> 3484

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3484

gcccaactca gcagcaccac cctcaacgca cag 33

<210> 3485

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3485

gcccaagttc agagtaatag gactaatgca cag 33

<210> 3486

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3486

gcccaaaata ataatattac gacgtctgca cag 33

<210> 3487

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3487

gcccaagtcg gcaccgccgg caaactcgca cag 33

<210> 3488

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3488

gcccaacccg ccatcagcac cgaccacgca cag 33

<210> 3489

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3489

gcccaaagta atctgggtaa tgtgccggca cag 33

<210> 3490

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3490

gcccaacaaa accaaagcag attcaccgca cag 33

<210> 3491

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3491

gcccaagctt ctaagggtat gacgttggca cag 33

<210> 3492

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3492

gcccaagcca ccgcccaaga caaaaccgca cag 33

<210> 3493

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3493

gcccaatggg acagcagcag cgtcagagca cag 33

<210> 3494

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3494

gcccaaacga atggtagtga gaagagtgca cag 33

<210> 3495

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3495

gcccaatctg ctgagaatca tacgtatgca cag 33

<210> 3496

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3496

gcccaaagcg tcccccaagc ctaccaagca cag 33

<210> 3497

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3497

gcccaaaaag actacgtcgt caccaacgca cag 33

<210> 3498

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3498

gcccaagtcg tccaaatgaa acaaaccgca cag 33

<210> 3499

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3499

gcccaaagaa ccctcagcct caccgccgca cag 33

<210> 3500

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3500

gcccaaaaca ccgtcgtcgg cagcagcgca cag 33

<210> 3501

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3501

gcccaatctt tgaatagtcc gacgactgca cag 33

<210> 3502

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3502

gcccaaacca ccggcatgga cgtcaaagca cag 33

<210> 3503

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3503

gcccaaaaca acagagacac caccaacgca cag 33

<210> 3504

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3504

gcccaatggg gcaactacac ccccaccgca cag 33

<210> 3505

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3505

gcccaaggga ttacgcgttc tgatactgca cag 33

<210> 3506

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3506

gcccaacaca tcctcagaac ccccgaagca cag 33

<210> 3507

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3507

gcccaacgtt ctgctagtgt ggagaatgca cag 33

<210> 3508

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3508

gcccaaagcc tcagcctcgg caaaggcgca cag 33

<210> 3509

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3509

gcccaaaaaa gagaagtcgt cggcgacgca cag 33

<210> 3510

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3510

gcccaaatcc aacccagcaa ccacgaagca cag 33

<210> 3511

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3511

gcccaaatga atctgggtaa tgcgccggca cag 33

<210> 3512

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3512

gcccaacagc cgaataatac taatagtgca cag 33

<210> 3513

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3513

gcccaactcc aaagcatggt ccaaggcgca cag 33

<210> 3514

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3514

gcccaacatg gtaatactac ttcgactgca cag 33

<210> 3515

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3515

gcccaaatcc aaagcaccgt caccctcgca cag 33

<210> 3516

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3516

gcccaagacg acagacaagg ccccagagca cag 33

<210> 3517

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3517

gcccaacaga cggctacgaa tattctggca cag 33

<210> 3518

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3518

gcccaacggc agcatgcgga tactgttgca cag 33

<210> 3519

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3519

gcccaaacta ggtcggagag ttctctggca cag 33

<210> 3520

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3520

gcccaacgtg ggcatgatcc ggctgtggca cag 33

<210> 3521

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3521

gcccaaagca ccagccaaac cgacctcgca cag 33

<210> 3522

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3522

gcccaagtca gcaccagcgc cgtcctcgca cag 33

<210> 3523

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3523

gcccaaagca tgccccccga aagattcgca cag 33

<210> 3524

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3524

gcccaagtca ccagcgccca ccccgtcgca cag 33

<210> 3525

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3525

gcccaaacca gcagacaagt cggcctcgca cag 33

<210> 3526

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3526

gcccaaactc cgaagttttc ttatgaggca cag 33

<210> 3527

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3527

gcccaaaaca gaatggccag caccatggca cag 33

<210> 3528

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3528

gcccaactcc tcgacaacac cagacccgca cag 33

<210> 3529

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3529

gcccaattga cgactattcc tagtactgca cag 33

<210> 3530

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3530

gcccaagcca acagaatcag agacaacgca cag 33

<210> 3531

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3531

gcccaaccca gagacatcca aagaaccgca cag 33

<210> 3532

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3532

gcccaaatgc ctcatgggct taagaatgca cag 33

<210> 3533

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3533

gcccaacctt ttacgcagaa tcatcttgca cag 33

<210> 3534

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3534

gcccaaaatg cgaatggtaa tactcgtgca cag 33

<210> 3535

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3535

gcccaactgg cttattctac gtcggcggca cag 33

<210> 3536

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3536

gcccaaaccg acagatacaa catcaaagca cag 33

<210> 3537

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3537

gcccaatatg ttactagtgc tgagcatgca cag 33

<210> 3538

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3538

gcccaaagtc atcagcagac tacggttgca cag 33

<210> 3539

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3539

gcccaactta atatgcagac gaggggggca cag 33

<210> 3540

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3540

gcccaataca ccccccaact caaaagcgca cag 33

<210> 3541

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3541

gcccaacaga ttaatggtca ggttattgca cag 33

<210> 3542

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3542

gcccaaacgc gtgagggtgt gttgcctgca cag 33

<210> 3543

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3543

gcccaagttc atcagtcggt gccgctggca cag 33

<210> 3544

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3544

gcccaaccgt attcgatggg gcatcctgca cag 33

<210> 3545

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3545

gcccaaggca ccaaaaccca cagcctcgca cag 33

<210> 3546

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3546

gcccaaacgc tgactacggg gtcgaaggca cag 33

<210> 3547

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3547

gcccaattta cgattggtgt tacgggggca cag 33

<210> 3548

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3548

gcccaactca gcagccacaa ccacaacgca cag 33

<210> 3549

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3549

gcccaaaccg gcaaaatgcc cctcgaagca cag 33

<210> 3550

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3550

gcccaaactg cgaatcctca tgcgactgca cag 33

<210> 3551

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3551

gcccaacacg acagcgtcgc cagcagcgca cag 33

<210> 3552

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3552

gcccaaacgc gtgcggatgt gttgatggca cag 33

<210> 3553

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3553

gcccaagcta atcatgcttc taatgcggca cag 33

<210> 3554

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3554

gcccaaagcc acatcgtcgg cgtcgaagca cag 33

<210> 3555

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3555

gcccaataca ccgcccaaaa aaccagcgca cag 33

<210> 3556

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3556

gcccaattgc ctgctgtgca gaagatggca cag 33

<210> 3557

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3557

gcccaatctg gtattcagac ggctaaggca cag 33

<210> 3558

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3558

gcccaagatc cggtgaagat tggtcatgca cag 33

<210> 3559

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3559

gcccaaagtc agactatgag taagagtgca cag 33

<210> 3560

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3560

gcccaaagcc tcacccccac caacatcgca cag 33

<210> 3561

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3561

gcccaatatc ttaataatac gaattctgca cag 33

<210> 3562

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3562

gcccaaatga ccagaatgag ccaaaacgca cag 33

<210> 3563

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3563

gcccaagtca accaaagcct cagcagagca cag 33

<210> 3564

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3564

gcccaaagaa ccgtcaccga caacagagca cag 33

<210> 3565

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3565

gcccaaatta ctggggtgtt tgctaatgca cag 33

<210> 3566

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3566

gcccaatcgc ctgggctgag tagggttgca cag 33

<210> 3567

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3567

gcccaagtgg tgaatcctca gactagggca cag 33

<210> 3568

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3568

gcccaatgga gccaaagcct cagcgccgca cag 33

<210> 3569

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3569

gcccaaccca gagacgccag caacgacgca cag 33

<210> 3570

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3570

gcccaataca ccagcatgac cgaattcgca cag 33

<210> 3571

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3571

gcccaaaaca acagccccag ccccagagca cag 33

<210> 3572

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3572

gcccaaaaca gcctcagcca cggcgacgca cag 33

<210> 3573

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3573

gcccaaagag tcgccggcga aatggccgca cag 33

<210> 3574

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3574

gcccaaggta ttgggtctag ggagcttgca cag 33

<210> 3575

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3575

gcccaatatg ttagtcgtat tcgtgatgca cag 33

<210> 3576

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3576

gcccaatacc ccagccccaa cgacaacgca cag 33

<210> 3577

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3577

gcccaacttc agaggacggc gcataatgca cag 33

<210> 3578

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3578

gcccaactcg acagcctcag cagacacgca cag 33

<210> 3579

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3579

gcccaaacca aaatcagcgc cggcagcgca cag 33

<210> 3580

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3580

gcccaaaaag acaacagccc cgtcgtcgca cag 33

<210> 3581

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3581

gcccaaaccg gccaaggcag cagcctcgca cag 33

<210> 3582

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3582

gcccaagata cgcatctgag tcgtcatgca cag 33

<210> 3583

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3583

gcccaagata ttgttaggag gcaggctgca cag 33

<210> 3584

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3584

gcccaagcta tgaagtatgc gcagactgca cag 33

<210> 3585

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3585

gcccaaaggc tggctgatca gcatccggca cag 33

<210> 3586

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3586

gcccaagctc ctgatagtac tcggatggca cag 33

<210> 3587

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3587

gcccaaagtc gggtttctcc ttcttcggca cag 33

<210> 3588

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3588

gcccaagtgc atggtcaggg tgagcctgca cag 33

<210> 3589

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3589

gcccaaatga gagacagcag caccagagca cag 33

<210> 3590

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3590

gcccaatggc cccaacacac caacaccgca cag 33

<210> 3591

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3591

gcccaagtcg gcagctaccc cgtcaccgca cag 33

<210> 3592

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3592

gcccaaactg cgactcaggg ggctaatgca cag 33

<210> 3593

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3593

gcccaaaaga ataatagtat ggatagtgca cag 33

<210> 3594

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3594

gcccaacaca ccaacgccgt caaagaagca cag 33

<210> 3595

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3595

gcccaacttc attcggtgac tacgccggca cag 33

<210> 3596

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3596

gcccaagccc ccggccaaca aaacttcgca cag 33

<210> 3597

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3597

gcccaatctt atactaatcg tactatggca cag 33

<210> 3598

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3598

gcccaatcgg gtcagagtaa tacgaaggca cag 33

<210> 3599

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3599

gcccaagaca gctacagagc ccaaagcgca cag 33

<210> 3600

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3600

gcccaaatgt ataagcataa ttctgatgca cag 33

<210> 3601

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3601

gcccaaagcc tcgccatggt caaccccgca cag 33

<210> 3602

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3602

gcccaacccc tcaccagcaa aagcatggca cag 33

<210> 3603

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3603

gcccaactcg gcgcccaacc cacccccgca cag 33

<210> 3604

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3604

gcccaagaag gcaaccaaaa accccaagca cag 33

<210> 3605

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3605

gcccaacagg ttcggccggg tgctcatgca cag 33

<210> 3606

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3606

gcccaaagcg gcaacatcac cgccatggca cag 33

<210> 3607

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3607

gcccaaaacg acagcaaaat cgccgaagca cag 33

<210> 3608

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3608

gcccaaatca tgaaaaacga acacaacgca cag 33

<210> 3609

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3609

gcccaacttt tgacgaatac tgatcgggca cag 33

<210> 3610

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3610

gcccaagata cggcgcagag tcgtaatgca cag 33

<210> 3611

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3611

gcccaaattg atcatggtaa gacgaatgca cag 33

<210> 3612

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3612

gcccaaacca gccccagaag cctcctcgca cag 33

<210> 3613

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3613

gcccaatcga atcctcggga ttctagtgca cag 33

<210> 3614

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3614

gcccaaatca tgcaaagcat ccaaaacgca cag 33

<210> 3615

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3615

gcccaaaaag tcagccccag cagcaccgca cag 33

<210> 3616

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3616

gcccaaaccg gccccagccc cagcctcgca cag 33

<210> 3617

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3617

gcccaaggcg ccgccagagc ccaagccgca cag 33

<210> 3618

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3618

gcccaaaagt ttcagtctcc tgagcctgca cag 33

<210> 3619

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3619

gcccaaatgg cgacgaattc gacggaggca cag 33

<210> 3620

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3620

gcccaaaacg tcctcaccaa catcagcgca cag 33

<210> 3621

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3621

gcccaaaaga atggtatgaa tttggtggca cag 33

<210> 3622

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3622

gcccaaactc ctacgcagcc ttctagtgca cag 33

<210> 3623

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3623

gcccaaacta aggagcttgt tattcatgca cag 33

<210> 3624

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3624

gcccaaatca tgaaccaaag cgtccaagca cag 33

<210> 3625

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3625

gcccaagtgt ctaatgctag ggataaggca cag 33

<210> 3626

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3626

gcccaaagta atcatacgcg gtcgtatgca cag 33

<210> 3627

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3627

gcccaacaca ccgacagact caaccccgca cag 33

<210> 3628

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3628

gcccaagccg cccccagcat gagcgacgca cag 33

<210> 3629

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3629

gcccaatttt cgaatacgca tgctttggca cag 33

<210> 3630

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3630

gcccaagctc atgatctgca tcgtgtggca cag 33

<210> 3631

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3631

gcccaacttc aggttaatca tgtggcggca cag 33

<210> 3632

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3632

gcccaaagcg gccccaacct cagcagagca cag 33

<210> 3633

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3633

gcccaaactt atacgtcgac gcctggtgca cag 33

<210> 3634

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3634

gcccaatatg gtactcctcc ttcgacggca cag 33

<210> 3635

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3635

gcccaatatg gtgtgagttc gggtagtgca cag 33

<210> 3636

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3636

gcccaaccca ccagagacct catgagcgca cag 33

<210> 3637

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3637

gcccaaaaga ttgatgcgat gacgcaggca cag 33

<210> 3638

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3638

gcccaaagaa tcggcaccag cgaagtcgca cag 33

<210> 3639

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3639

gcccaatttg atcctcttca gtcgtcggca cag 33

<210> 3640

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3640

gcccaactcc tccaccacgt cgaagtcgca cag 33

<210> 3641

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3641

gcccaagtca ccctcggcaa cagcgtcgca cag 33

<210> 3642

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3642

gcccaactcc tcaacgacag aagcgtcgca cag 33

<210> 3643

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3643

gcccaattcg tcgacagaag accccaagca cag 33

<210> 3644

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3644

gcccaaacga atgtgactac gacgacggca cag 33

<210> 3645

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3645

gcccaagacg aaaccaacaa aagatgggca cag 33

<210> 3646

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3646

gcccaaacgt cgacgtctgc tattcgggca cag 33

<210> 3647

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3647

gcccaaggca ccagcagagt ccaaggcgca cag 33

<210> 3648

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3648

gcccaactca acaccatggc cctccccgca cag 33

<210> 3649

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3649

gcccaaagta ctcatgcgac tgatagggca cag 33

<210> 3650

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3650

gcccaacacc acggcgtcac cagcggcgca cag 33

<210> 3651

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3651

gcccaaggcc tcatggccaa caaccccgca cag 33

<210> 3652

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3652

gcccaagggt cttcgtctaa ttcgtttgca cag 33

<210> 3653

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3653

gcccaaagag aaaaaatgac cctcctcgca cag 33

<210> 3654

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3654

gcccaaagcc ccgtcagcag cgacagcgca cag 33

<210> 3655

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3655

gcccaagacg tcgcccacaa agacagagca cag 33

<210> 3656

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3656

gcccaaagta tggtttctaa tattgcggca cag 33

<210> 3657

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3657

gcccaaatga tgcataatat gcagtctgca cag 33

<210> 3658

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3658

gcccaagtgt cgaattcttc tcggatggca cag 33

<210> 3659

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3659

gcccaatata cggctactaa ggcgagtgca cag 33

<210> 3660

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3660

gcccaaagca ccagcggcgg cgtcagagca cag 33

<210> 3661

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3661

gcccaattta ctagggctga gcctgcggca cag 33

<210> 3662

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3662

gcccaaccta ttacgagggg tactattgca cag 33

<210> 3663

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3663

gcccaatacc acaacagcat gctcggcgca cag 33

<210> 3664

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3664

gcccaaagta atagtccggg taatgctgca cag 33

<210> 3665

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3665

gcccaacaaa aaggcgtcca actccccgca cag 33

<210> 3666

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3666

gcccaacgta gtgagactaa taatactgca cag 33

<210> 3667

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3667

gcccaagtgg atcagatgct ggctcctgca cag 33

<210> 3668

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3668

gcccaacaaa ccagacacac cagcatggca cag 33

<210> 3669

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3669

gcccaaatgc acgccgacag agccctcgca cag 33

<210> 3670

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3670

gcccaatcga ctacgcatgc tcctaaggca cag 33

<210> 3671

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3671

gcccaatcta atcagactat tatgacggca cag 33

<210> 3672

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3672

gcccaagttt cttcgccttc tggtctggca cag 33

<210> 3673

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3673

gcccaaaaaa gaggcgaaga aatggtcgca cag 33

<210> 3674

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3674

gcccaacagg atagtgggaa tagttatgca cag 33

<210> 3675

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3675

gcccaaagcc acgccaccac cggcggcgca cag 33

<210> 3676

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3676

gcccaaaagc tgagtgagac gtctcatgca cag 33

<210> 3677

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3677

gcccaactta attataagga ggcgccggca cag 33

<210> 3678

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3678

gcccaaagcg tcgacagcgt cagactcgca cag 33

<210> 3679

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3679

gcccaacaac ccaacgtcat ccaaaccgca cag 33

<210> 3680

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3680

gcccaacgta tgactaattt gcagactgca cag 33

<210> 3681

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3681

gcccaagcca cccccggcgg cagcggcgca cag 33

<210> 3682

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3682

gcccaagacg tcaacagcat gagcagcgca cag 33

<210> 3683

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3683

gcccaattgc ctcgtagtca tcttgatgca cag 33

<210> 3684

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3684

gcccaacccg cccccagata cgacaaagca cag 33

<210> 3685

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3685

gcccaaagaa actacagcga caaagacgca cag 33

<210> 3686

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3686

gcccaaagtg agaatctttt gagtcgtgca cag 33

<210> 3687

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3687

gcccaaagta gtcttaatat gaaggatgca cag 33

<210> 3688

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3688

gcccaaagcg acaaagaata cggcagagca cag 33

<210> 3689

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3689

gcccaatacg tcagccaaag cggcatggca cag 33

<210> 3690

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3690

gcccaaaacg tcgtcagcgt cagacaagca cag 33

<210> 3691

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3691

gcccaaacgg gtaaggaggg tcggactgca cag 33

<210> 3692

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3692

gcccaattta agaatactgt ggcgactgca cag 33

<210> 3693

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3693

gcccaaggca gcagagaacc cagcagcgca cag 33

<210> 3694

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3694

gcccaaagag aaaaagtcag cacccccgca cag 33

<210> 3695

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3695

gcccaacagg agcctgctag gcataatgca cag 33

<210> 3696

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3696

gcccaaacta gtcattcgaa tggtcgtgca cag 33

<210> 3697

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3697

gcccaagacc tcagcagccc caaaatggca cag 33

<210> 3698

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3698

gcccaactcg ccaccacccc caaacccgca cag 33

<210> 3699

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3699

gcccaaagcg gccccaacgt cagcctcgca cag 33

<210> 3700

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3700

gcccaacccg tctacaacgc cagccccgca cag 33

<210> 3701

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3701

gcccaaaatt ctactacttt ggtgatggca cag 33

<210> 3702

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3702

gcccaaagaa acgccgtcgt cagcatggca cag 33

<210> 3703

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3703

gcccaaaagg atcttctggc taagcttgca cag 33

<210> 3704

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3704

gcccaacccc acgaaggcag cagcagagca cag 33

<210> 3705

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3705

gcccaacggg atacggtttc gcgttatgca cag 33

<210> 3706

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3706

gcccaaggcc aagccgccca aggccacgca cag 33

<210> 3707

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3707

gcccaaaggg ctgagactgc tcatgtggca cag 33

<210> 3708

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3708

gcccaagaaa acagaaccgt ccccaccgca cag 33

<210> 3709

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3709

gcccaaagta gtaatgatgc gagggtggca cag 33

<210> 3710

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3710

gcccaacccg gccaagtcga cagaagagca cag 33

<210> 3711

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3711

gcccaaggcc ccggcgccaa caccaccgca cag 33

<210> 3712

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3712

gcccaaatgc ccgaaaacct caaagaagca cag 33

<210> 3713

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3713

gcccaaacga atgcggtggc ttctaatgca cag 33

<210> 3714

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3714

gcccaatacg gcaaaatcga actctacgca cag 33

<210> 3715

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3715

gcccaaaatc cgaatggtac gggttttgca cag 33

<210> 3716

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3716

gcccaatctc ggaatactat gggttcggca cag 33

<210> 3717

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3717

gcccaaccga gtcatgggat tacggctgca cag 33

<210> 3718

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3718

gcccaattgg agacgctgag ggggcctgca cag 33

<210> 3719

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3719

gcccaagatc gttctcctga tattagggca cag 33

<210> 3720

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3720

gcccaaaagg atttggcgtc tgcgaaggca cag 33

<210> 3721

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3721

gcccaaatca ccagccacgg caacagcgca cag 33

<210> 3722

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3722

gcccaacatt ctaagatgcc ttctacggca cag 33

<210> 3723

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3723

gcccaaattg cgacttttac gacggcggca cag 33

<210> 3724

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3724

gcccaagcgg cgtctgggta tcttaatgca cag 33

<210> 3725

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3725

gcccaagata gtgttaggcc ggctattgca cag 33

<210> 3726

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3726

gcccaaagac tcagcgaaga aatgagagca cag 33

<210> 3727

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3727

gcccaactcc ccatcagcgc caccgaagca cag 33

<210> 3728

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3728

gcccaatcta atgtggcggc tcagatggca cag 33

<210> 3729

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3729

gcccaatatc agtcgctgat ttctgaggca cag 33

<210> 3730

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3730

gcccaatatc agagtgggta tgataaggca cag 33

<210> 3731

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3731

gcccaactca gaaccggcga actcaccgca cag 33

<210> 3732

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3732

gcccaaccgg cgacgaataa tatgcgggca cag 33

<210> 3733

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3733

gcccaagtca gcagcagcaa attcagcgca cag 33

<210> 3734

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3734

gcccaaacta cgctgcttga taaggctgca cag 33

<210> 3735

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3735

gcccaaagcc ccgccctcca ccccagcgca cag 33

<210> 3736

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3736

gcccaattca accacaacag aaccgacgca cag 33

<210> 3737

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3737

gcccaagccg aaaaaaccgc caacggcgca cag 33

<210> 3738

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3738

gcccaaaatc tgcgtgtgac ggcttcggca cag 33

<210> 3739

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3739

gcccaaatga aggatgggtc gcggattgca cag 33

<210> 3740

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3740

gcccaaagaa tcggcgccaa cgccaccgca cag 33

<210> 3741

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3741

gcccaagcca acctcacccc caacagagca cag 33

<210> 3742

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3742

gcccaatcgg tgtctgataa gagtcatgca cag 33

<210> 3743

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3743

gcccaataca gcaccctcca caccgccgca cag 33

<210> 3744

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3744

gcccaaacga agtttggtgg tattcaggca cag 33

<210> 3745

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3745

gcccaagaca tccccaaagg cagcagcgca cag 33

<210> 3746

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3746

gcccaaatcc tccccagcag cagccaagca cag 33

<210> 3747

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3747

gcccaagtca gccaaaccac cagcagcgca cag 33

<210> 3748

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3748

gcccaaacga ttcatctgca taaggatgca cag 33

<210> 3749

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3749

gcccaagtca ccgacagagt cggcaacgca cag 33

<210> 3750

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3750

gcccaactgc ctgctcgggc tgctaatgca cag 33

<210> 3751

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3751

gcccaacaca cccaaagcat gaccgtcgca cag 33

<210> 3752

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3752

gcccaactcc tcaacagcag ccaactcgca cag 33

<210> 3753

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3753

gcccaaagaa acagcgaact cagagccgca cag 33

<210> 3754

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3754

gcccaacaga agtctccgaa tggtctggca cag 33

<210> 3755

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3755

gcccaaaaaa gcggcgacca cctcaccgca cag 33

<210> 3756

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3756

gcccaaggga atcggactac gagtagtgca cag 33

<210> 3757

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3757

gcccaaatgg tcgccctcac cgtcggcgca cag 33

<210> 3758

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3758

gcccaactca gcagcaacag ccccagagca cag 33

<210> 3759

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3759

gcccaagctt cgaataatca gacgtatgca cag 33

<210> 3760

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3760

gcccaaaaca acatcgtcac caccagcgca cag 33

<210> 3761

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3761

gcccaacacg acaccaaaaa acccatggca cag 33

<210> 3762

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3762

gcccaaatta atacggctag ttataaggca cag 33

<210> 3763

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3763

gcccaaagtg gtatggttag tatgtcggca cag 33

<210> 3764

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3764

gcccaactcg tcaccgccag cgccagagca cag 33

<210> 3765

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3765

gcccaaagca gagcccccag cgccatggca cag 33

<210> 3766

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3766

gcccaaaaca acaaccaaaa agtctacgca cag 33

<210> 3767

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3767

gcccaaacta gtgtggttgc taatcctgca cag 33

<210> 3768

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3768

gcccaaggca acgccggccc cagcctcgca cag 33

<210> 3769

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3769

gcccaataca gcaccagcct cgaactcgca cag 33

<210> 3770

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3770

gcccaaccgt ctaatccgcc taaggaggca cag 33

<210> 3771

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3771

gcccaaacta attctaagcc ttcgtgggca cag 33

<210> 3772

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3772

gcccaatcga ttgatcggca gcagcttgca cag 33

<210> 3773

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3773

gcccaaaaca aagccggccc cgccagcgca cag 33

<210> 3774

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3774

gcccaaagca tgaccaccaa cagaagcgca cag 33

<210> 3775

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3775

gcccaaggca acagcgccgt ccaactcgca cag 33

<210> 3776

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3776

gcccaaagaa gcagcgacgt caacaccgca cag 33

<210> 3777

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3777

gcccaacaca acggcgtcca aagcgtcgca cag 33

<210> 3778

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3778

gcccaagaaa aagaccacgg catggccgca cag 33

<210> 3779

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3779

gcccaataca gactccccga cggcagagca cag 33

<210> 3780

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3780

gcccaaagca gcagagaact cagactcgca cag 33

<210> 3781

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3781

gcccaaaacc aagtcgaaag cagagtcgca cag 33

<210> 3782

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3782

gcccaagccc tccacagcgt ccccaaagca cag 33

<210> 3783

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3783

gcccaaactg gtcctagtac ggtgccggca cag 33

<210> 3784

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3784

gcccaagaac ccctcggcgt ccaccccgca cag 33

<210> 3785

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3785

gcccaaacca gaaccgacac caccaacgca cag 33

<210> 3786

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3786

gcccaaagcc acaacctcac cgccgacgca cag 33

<210> 3787

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3787

gcccaaaacg tcagaagaga cgacaccgca cag 33

<210> 3788

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3788

gcccaattcg ccgccaacct cgtcgccgca cag 33

<210> 3789

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3789

gcccaaatcg gcgcccaagc cagaatggca cag 33

<210> 3790

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3790

gcccaaaatt ctatgtctaa ggcttatgca cag 33

<210> 3791

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3791

gcccaaaacg tcaacaaaga cagagtcgca cag 33

<210> 3792

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3792

gcccaatctt ttcagggttc ggctagggca cag 33

<210> 3793

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3793

gcccaagcca acagcgacca catccacgca cag 33

<210> 3794

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3794

gcccaagtca gcctcgccag caaaagcgca cag 33

<210> 3795

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3795

gcccaaccca aagacagagc caccagcgca cag 33

<210> 3796

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3796

gcccaagttc ggtcgcagag tgattcggca cag 33

<210> 3797

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3797

gcccaacttg gtaattcggt gtttaaggca cag 33

<210> 3798

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3798

gcccaaagca ccaaagaaag ccccaaagca cag 33

<210> 3799

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3799

gcccaactcc aacccaccac cttcagcgca cag 33

<210> 3800

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3800

gcccaaccca tgcacaccgc catggtcgca cag 33

<210> 3801

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3801

gcccaagtgt ttgctcatac tggtcttgca cag 33

<210> 3802

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3802

gcccaacaaa aagccaccag catccacgca cag 33

<210> 3803

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3803

gcccaaggtt ctaagtcgga taatctggca cag 33

<210> 3804

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3804

gcccaaagcg gcaccaacgt cgtcagcgca cag 33

<210> 3805

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3805

gcccaaacca aactcaccac cctcagcgca cag 33

<210> 3806

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3806

gcccaaccca tcctccacaa ccaaatcgca cag 33

<210> 3807

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3807

gcccaagtca ccaaccccat caaacccgca cag 33

<210> 3808

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3808

gcccaaacca acgccctcca catgaaagca cag 33

<210> 3809

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3809

gcccaagtcg cccacgccta ccccgccgca cag 33

<210> 3810

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3810

gcccaagctg agcatggtct tggtcctgca cag 33

<210> 3811

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3811

gcccaaatga acaaatacag ccccgccgca cag 33

<210> 3812

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3812

gcccaaacca tgcaagacag actcaccgca cag 33

<210> 3813

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3813

gcccaaggcg tcaaaatcct caacagcgca cag 33

<210> 3814

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3814

gcccaagcgc agaataagat gacgagtgca cag 33

<210> 3815

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3815

gcccaaacca gcgccctcac cgacatcgca cag 33

<210> 3816

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3816

gcccaagacc tcagacacgc cgacatcgca cag 33

<210> 3817

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3817

gcccaacaga ataaggcgtt gacggtggca cag 33

<210> 3818

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3818

gcccaaactc aggggattac gattgtggca cag 33

<210> 3819

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3819

gcccaaacgg cgactattct gtcgggggca cag 33

<210> 3820

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3820

gcccaatttg cggcgagtaa tatttctgca cag 33

<210> 3821

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3821

gcccaacgta atactatgga gactatggca cag 33

<210> 3822

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3822

gcccaaagtt ctggtactag ttatagtgca cag 33

<210> 3823

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3823

gcccaagcca accacggcct caacgccgca cag 33

<210> 3824

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3824

gcccaaatgc tgtcgaattc gcgtagtgca cag 33

<210> 3825

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3825

gcccaagctg cgattcatgc gacgcctgca cag 33

<210> 3826

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3826

gcccaatggc agtcgtttgc gtcggcggca cag 33

<210> 3827

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3827

gcccaaatgg gtgggaattc gagtacggca cag 33

<210> 3828

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3828

gcccaaaaga cggatttggc gcagcatgca cag 33

<210> 3829

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3829

gcccaagtca acaccaccag attcagcgca cag 33

<210> 3830

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3830

gcccaaaatg tgcatgctca tcaggctgca cag 33

<210> 3831

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3831

gcccaaggcg ccatgagcat ccaaaccgca cag 33

<210> 3832

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3832

gcccaagctc ggggtccgac gattgttgca cag 33

<210> 3833

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3833

gcccaaacga tgcatagtaa gtcggatgca cag 33

<210> 3834

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3834

gcccaaacgg ttacgcagac tactcaggca cag 33

<210> 3835

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3835

gcccaaggca acaccaacag cctcaccgca cag 33

<210> 3836

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3836

gcccaaagag tcatcgccag cgtcaacgca cag 33

<210> 3837

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3837

gcccaaccca gcagcggcaa cagcgaagca cag 33

<210> 3838

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3838

gcccaacagc cgcatggttt tacggctgca cag 33

<210> 3839

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3839

gcccaaacca ccggcaccaa catgagagca cag 33

<210> 3840

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3840

gcccaattca ccagactcga agacagagca cag 33

<210> 3841

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3841

gcccaagaca gaagccccgc ccacaccgca cag 33

<210> 3842

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3842

gcccaacacg tccacaacac cgtccccgca cag 33

<210> 3843

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3843

gcccaaatga acaccaccgg caccaaagca cag 33

<210> 3844

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3844

gcccaattcg ccacccaaac catcgccgca cag 33

<210> 3845

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3845

gcccaagtca gcggcaacat ccccgtcgca cag 33

<210> 3846

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3846

gcccaagacg gcagaaacat cgcccccgca cag 33

<210> 3847

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3847

gcccaaatgc tccccaccgt caacagagca cag 33

<210> 3848

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3848

gcccaaccta ctactaatgt gcttggtgca cag 33

<210> 3849

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3849

gcccaacggg agatgcatgg tactcttgca cag 33

<210> 3850

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3850

gcccaatctc cgtattcgac tcgtccggca cag 33

<210> 3851

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3851

gcccaataca acatgaacac cgaaatggca cag 33

<210> 3852

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3852

gcccaagggg cgcgtatggg tcattcggca cag 33

<210> 3853

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3853

gcccaattca gccccggcta cgtccccgca cag 33

<210> 3854

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3854

gcccaacagc agcatattcc tccttctgca cag 33

<210> 3855

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3855

gcccaactca gcaccagcct cagccccgca cag 33

<210> 3856

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3856

gcccaagtta atgggattaa ggagtatgca cag 33

<210> 3857

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3857

gcccaaggtg tgcggactga gccgatggca cag 33

<210> 3858

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3858

gcccaaagaa acaacgacag cctcaccgca cag 33

<210> 3859

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3859

gcccaattta atgcgtctcc taagttggca cag 33

<210> 3860

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3860

gcccaaggcc tcaccaccag caccaccgca cag 33

<210> 3861

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3861

gcccaaatga tcagaggcac cagcagcgca cag 33

<210> 3862

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3862

gcccaaacta agcttgtggc tactgtggca cag 33

<210> 3863

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3863

gcccaagtga gtcggcagtt tgagccggca cag 33

<210> 3864

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3864

gcccaaaatg gtgatagttt gcgtcctgca cag 33

<210> 3865

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3865

gcccaaaccc aaaacctcag cagccacgca cag 33

<210> 3866

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3866

gcccaaaccg tcaccggcag cctcgtcgca cag 33

<210> 3867

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3867

gcccaaggca gaggccccga agcccaagca cag 33

<210> 3868

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3868

gcccaaccca gaaacgtcgg cctcgaagca cag 33

<210> 3869

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3869

gcccaattca acagcagcat ccccaccgca cag 33

<210> 3870

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3870

gcccaaggta atcagcagca ttcttctgca cag 33

<210> 3871

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3871

gcccaaccca tcaccaacgg cagcttcgca cag 33

<210> 3872

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3872

gcccaagttc agcgtactcc gcttactgca cag 33

<210> 3873

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3873

gcccaaacgc cttatgctgg tagggctgca cag 33

<210> 3874

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3874

gcccaactgg ctctgtctaa tcgtacggca cag 33

<210> 3875

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3875

gcccaaggtc agatggctac tggtctggca cag 33

<210> 3876

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3876

gcccaatcta atcctgcgac tactactgca cag 33

<210> 3877

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3877

gcccaagggc ggactactag tgatagtgca cag 33

<210> 3878

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3878

gcccaaagca gactcaccag cctcggcgca cag 33

<210> 3879

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3879

gcccaacatc tttctacgcc ggatttggca cag 33

<210> 3880

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3880

gcccaaatgc ctcatgctcc gacttcggca cag 33

<210> 3881

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3881

gcccaagttg cgggtatgtt gacgcatgca cag 33

<210> 3882

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3882

gcccaagtcg ccagccaaaa actcaacgca cag 33

<210> 3883

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3883

gcccaaaccc aaagcatgac cagcagagca cag 33

<210> 3884

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3884

gcccaaccca tcagcaccat gagcctcgca cag 33

<210> 3885

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3885

gcccaagccc aactcaacag cgccggcgca cag 33

<210> 3886

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3886

gcccaacacc tccccaaata cgaacacgca cag 33

<210> 3887

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3887

gcccaagggg tgcaggctgt tgtgggtgca cag 33

<210> 3888

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3888

gcccaaggcg acacccaata cgccagagca cag 33

<210> 3889

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3889

gcccaagcca gccccctcgt catgagcgca cag 33

<210> 3890

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3890

gcccaaagca acgccggcat gagcaaagca cag 33

<210> 3891

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3891

gcccaaagaa gcgtcagcgc cgtccccgca cag 33

<210> 3892

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3892

gcccaaccca gctaccacaa aagccccgca cag 33

<210> 3893

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3893

gcccaacatc agtttactag ttctgcggca cag 33

<210> 3894

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3894

gcccaaaacc aaagccccat cggcgccgca cag 33

<210> 3895

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3895

gcccaaggtg cggctgggat gtcgcgggca cag 33

<210> 3896

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3896

gcccaaacgg tgaagacgta tagtgcggca cag 33

<210> 3897

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3897

gcccaactca gcatgaccag ccaaatggca cag 33

<210> 3898

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3898

gcccaaggcc tcagccccac cttcggcgca cag 33

<210> 3899

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3899

gcccaaatgg acaccgtcat gaaaggcgca cag 33

<210> 3900

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3900

gcccaacgtg ataagatttc tacgtatgca cag 33

<210> 3901

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3901

gcccaagaca gcaacagcta cgtcagagca cag 33

<210> 3902

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3902

gcccaaagcc tcaaaagcag ccccttcgca cag 33

<210> 3903

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3903

gcccaacttg atcgtactgc gaagcctgca cag 33

<210> 3904

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3904

gcccaaccgt cgagggctcc ggatcctgca cag 33

<210> 3905

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3905

gcccaatacc tcaaccaaat cagaagcgca cag 33

<210> 3906

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3906

gcccaacaaa acagaagcgt cgtcgaagca cag 33

<210> 3907

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3907

gcccaacagg agtctatggt taagtatgca cag 33

<210> 3908

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3908

gcccaaaagc tgtcgcagga gagtaatgca cag 33

<210> 3909

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3909

gcccaacgtg gtactatgga gcatgatgca cag 33

<210> 3910

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3910

gcccaacagt cgggtcctgg gattgtggca cag 33

<210> 3911

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3911

gcccaactca accaaggcga cctcctcgca cag 33

<210> 3912

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3912

gcccaagcca aaaccatcgg cagcaccgca cag 33

<210> 3913

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3913

gcccaagaca gcggcaacag aaccagcgca cag 33

<210> 3914

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3914

gcccaactca gccacagcac cagcttcgca cag 33

<210> 3915

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3915

gcccaaggtg atttttcgtc gaagcaggca cag 33

<210> 3916

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3916

gcccaagatc atagtaatgc gtatcgtgca cag 33

<210> 3917

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3917

gcccaagttc cgactgatcg tcctcgtgca cag 33

<210> 3918

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3918

gcccaaagca tgcaactcat caacgaagca cag 33

<210> 3919

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3919

gcccaatacg ccaacagcgt cggcctcgca cag 33

<210> 3920

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3920

gcccaagtct acctcgccag cggcggcgca cag 33

<210> 3921

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3921

gcccaactca tccccgtcac cagcgtcgca cag 33

<210> 3922

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3922

gcccaaggca acatgaacag cagaaccgca cag 33

<210> 3923

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3923

gcccaaagcc acaacgacag aagcctcgca cag 33

<210> 3924

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3924

gcccaacata ggattcctac ggctggggca cag 33

<210> 3925

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3925

gcccaaatgg gcaaagacta cacccacgca cag 33

<210> 3926

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3926

gcccaatctc atgcgagtac tcctattgca cag 33

<210> 3927

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3927

gcccaactca acagccaaac cagaagcgca cag 33

<210> 3928

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3928

gcccaacgga cgctgagtga tagtgtggca cag 33

<210> 3929

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3929

gcccaactta cgactgctaa gacgtttgca cag 33

<210> 3930

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3930

gcccaaagaa tcgtcggcag caccagcgca cag 33

<210> 3931

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3931

gcccaaacca aaaccctcgc cctccacgca cag 33

<210> 3932

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3932

gcccaatggg aagtccccgc cagaaacgca cag 33

<210> 3933

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3933

gcccaaattt ctaatccggc gattgctgca cag 33

<210> 3934

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3934

gcccaattgg gggcttcgca gacttctgca cag 33

<210> 3935

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3935

gcccaactca gcacccacaa cagcgtcgca cag 33

<210> 3936

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3936

gcccaaagac acaccgacat cgacaccgca cag 33

<210> 3937

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3937

gcccaaggga ggccggttat tgcggcggca cag 33

<210> 3938

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3938

gcccaagcca acctcagaga cggcgtcgca cag 33

<210> 3939

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3939

gcccaagttc agtctccgtc gattacggca cag 33

<210> 3940

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3940

gcccaattca ccagcggcag ccacctcgca cag 33

<210> 3941

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3941

gcccaacctc ttcagcagtc gggtcatgca cag 33

<210> 3942

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3942

gcccaagcca gagtcgccac caccctcgca cag 33

<210> 3943

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3943

gcccaacccg gcagacaaaa cgacgccgca cag 33

<210> 3944

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3944

gcccaaaaat acagcagcac cgccatcgca cag 33

<210> 3945

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3945

gcccaacaca gcacccacta catcgccgca cag 33

<210> 3946

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3946

gcccaacaac ccctcaacgc cctccccgca cag 33

<210> 3947

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3947

gcccaaaaaa cccaagaaac cggcaacgca cag 33

<210> 3948

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3948

gcccaaagtg agttgtctcg gcatgcggca cag 33

<210> 3949

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3949

gcccaaggcc ccaaaaccat cagcaccgca cag 33

<210> 3950

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3950

gcccaaagtc atagtattgt gaatccggca cag 33

<210> 3951

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3951

gcccaacatt cgaatactgt gagttcggca cag 33

<210> 3952

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3952

gcccaagtcg ccggcctcac cgtccaagca cag 33

<210> 3953

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3953

gcccaagcca accccggcct cgccaacgca cag 33

<210> 3954

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3954

gcccaagcca gcgtccaaat gaccctcgca cag 33

<210> 3955

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3955

gcccaactcg tcaccgccca aggccccgca cag 33

<210> 3956

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3956

gcccaaacta cgcgttatac ttcgccggca cag 33

<210> 3957

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3957

gcccaaatgg acaccgacaa acccagagca cag 33

<210> 3958

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3958

gcccaaggca ccagcgtcca agacagagca cag 33

<210> 3959

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3959

gcccaaagag ccagccccca acaatacgca cag 33

<210> 3960

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3960

gcccaagtca gcagcgaaca cagaatcgca cag 33

<210> 3961

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3961

gcccaaagca acatgaaaat ccaacccgca cag 33

<210> 3962

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3962

gcccaaaacc tcagaatcga acccatggca cag 33

<210> 3963

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3963

gcccaaccca ccgaaagcct cagagtcgca cag 33

<210> 3964

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3964

gcccaaacta ataggggtct tgctcttgca cag 33

<210> 3965

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3965

gcccaacatg agaagacggc gtatattgca cag 33

<210> 3966

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3966

gcccaaaatg ttatttctaa gaatttggca cag 33

<210> 3967

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3967

gcccaaggga cggcggggtt ttcgtcggca cag 33

<210> 3968

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3968

gcccaaattg cgcagatggg ggttaaggca cag 33

<210> 3969

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3969

gcccaaactt ctaaggatgt gaaggatgca cag 33

<210> 3970

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3970

gcccaaatca tcggcgccag agacatcgca cag 33

<210> 3971

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3971

gcccaactta gggatacggg tcttggggca cag 33

<210> 3972

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3972

gcccaactca gcaacagcct cggccaagca cag 33

<210> 3973

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3973

gcccaaaacg tcctcaacag cagaggcgca cag 33

<210> 3974

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3974

gcccaattta ggggtagtgg tagtccggca cag 33

<210> 3975

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3975

gcccaaaatc cggagttgcc gcgtcaggca cag 33

<210> 3976

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3976

gcccaaacgt ctagttcgtt taaggaggca cag 33

<210> 3977

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3977

gcccaaaaca gagaatacat gacccacgca cag 33

<210> 3978

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3978

gcccaaacgc ctggtgttgc gcatcctgca cag 33

<210> 3979

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3979

gcccaaacgc agtcttcgga ggggcctgca cag 33

<210> 3980

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3980

gcccaaaggg gtgagccgat tgtgtcggca cag 33

<210> 3981

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3981

gcccaatcgc ttacgtctct gaattctgca cag 33

<210> 3982

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3982

gcccaaacgg tgttgcatac gaggcaggca cag 33

<210> 3983

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3983

gcccaattgt cgaagtcggg tgcggatgca cag 33

<210> 3984

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3984

gcccaagcca acggcaacca aagcctcgca cag 33

<210> 3985

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3985

gcccaattcg tcaccagcag cagcggcgca cag 33

<210> 3986

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3986

gcccaaggtg cgaataatca tacgcgtgca cag 33

<210> 3987

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3987

gcccaacacg ccagcgacgt caacaacgca cag 33

<210> 3988

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3988

gcccaaggcc accacaccag cgaccccgca cag 33

<210> 3989

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3989

gcccaagaca aaaaccccgg cgtccacgca cag 33

<210> 3990

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3990

gcccaatcga ggaattcgca tattgaggca cag 33

<210> 3991

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3991

gcccaacagg cgagttctga tcatgttgca cag 33

<210> 3992

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3992

gcccaactca gagacacccc ctacaacgca cag 33

<210> 3993

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3993

gcccaaagtt tggctgcgac gagggatgca cag 33

<210> 3994

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3994

gcccaaggcc acgtcaacaa cgccgtcgca cag 33

<210> 3995

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3995

gcccaaattg gtgggcttac gacgcgggca cag 33

<210> 3996

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3996

gcccaaagca aagaaagaaa cggccaagca cag 33

<210> 3997

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3997

gcccaattga atagtggttc ttctgctgca cag 33

<210> 3998

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3998

gcccaaacca tgagcaccac ctacgaagca cag 33

<210> 3999

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 3999

gcccaaggcg ccgacaacag aatcagcgca cag 33

<210> 4000

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4000

gcccaaaccc aaaacaacgg cgacgtcgca cag 33

<210> 4001

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4001

gcccaaaatg gtccgtctgt gctgagtgca cag 33

<210> 4002

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4002

gcccaaacgg ctcttcggga tgtgggtgca cag 33

<210> 4003

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4003

gcccaaagga ctatggggac gactatggca cag 33

<210> 4004

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4004

gcccaaacga ggggtacgac tgtggaggca cag 33

<210> 4005

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4005

gcccaaaccg tcagcagagt ccaagtcgca cag 33

<210> 4006

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4006

gcccaaaggc tggatactag tgcggatgca cag 33

<210> 4007

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4007

gcccaactca tgaccaaagg cctcgtcgca cag 33

<210> 4008

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4008

gcccaaccca tgagaatgca aaccgccgca cag 33

<210> 4009

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4009

gcccaagtgg tgctggggag tacttctgca cag 33

<210> 4010

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4010

gcccaatcta ataatgggaa tggtcatgca cag 33

<210> 4011

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4011

gcccaaagag gccccgacct cctcaacgca cag 33

<210> 4012

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4012

gcccaaggtt ttaatagtat gaagcctgca cag 33

<210> 4013

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4013

gcccaactca acagcaaccc catgaacgca cag 33

<210> 4014

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4014

gcccaactca gcaacagagt ccaaagcgca cag 33

<210> 4015

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4015

gcccaaagca gaatggaagg caccgtcgca cag 33

<210> 4016

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4016

gcccaaagcg aacaatacgt cagagtcgca cag 33

<210> 4017

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4017

gcccaaagta atcttgcgaa tcagcctgca cag 33

<210> 4018

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4018

gcccaagtga gtatgcagag gccgacggca cag 33

<210> 4019

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4019

gcccaatttc atggtcaggg tatgtctgca cag 33

<210> 4020

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4020

gcccaaaccg gcgccatcaa cgcccccgca cag 33

<210> 4021

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4021

gcccaaacgc tgtttaagaa tggtcctgca cag 33

<210> 4022

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4022

gcccaagtgg tgcctatttc gacgaatgca cag 33

<210> 4023

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4023

gcccaagcca aaggcaccgc cctcgtcgca cag 33

<210> 4024

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4024

gcccaaaggg atactgtgca ggtgtatgca cag 33

<210> 4025

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4025

gcccaactcg gcaccaaagc cacccacgca cag 33

<210> 4026

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4026

gcccaagaca acgtcagagt caccgccgca cag 33

<210> 4027

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4027

gcccaaacga ggcctgggtc gcatactgca cag 33

<210> 4028

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4028

gcccaagctc agttggctcc tcgtgcggca cag 33

<210> 4029

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4029

gcccaatcta ctatgcggac gtcgctggca cag 33

<210> 4030

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4030

gcccaaatga atcagacttc tgctaaggca cag 33

<210> 4031

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4031

gcccaaagca gaagcagccc caccatcgca cag 33

<210> 4032

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4032

gcccaaagcg ccctcaacca ataccccgca cag 33

<210> 4033

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4033

gcccaaatca gcaccaccac cagaaacgca cag 33

<210> 4034

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4034

gcccaatctc gtgatacgcc gagtggtgca cag 33

<210> 4035

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4035

gcccaaaact tcaacaaaca aggcctcgca cag 33

<210> 4036

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4036

gcccaaccta gtaatacgtc ttcggttgca cag 33

<210> 4037

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4037

gcccaaactg ttagtacgaa tgcgagggca cag 33

<210> 4038

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4038

gcccaaaaca tgagccaaac cgtcgccgca cag 33

<210> 4039

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4039

gcccaaattg ggaagagttc tactcctgca cag 33

<210> 4040

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4040

gcccaaagag aaaccgaaac cggcagagca cag 33

<210> 4041

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4041

gcccaacctt atactccgct gactggtgca cag 33

<210> 4042

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4042

gcccaagccg aatacaacac cggcgtcgca cag 33

<210> 4043

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4043

gcccaaggca gaaacgccga aaccagagca cag 33

<210> 4044

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4044

gcccaaacgt ttaatcatac tactgatgca cag 33

<210> 4045

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4045

gcccaaaccc acctcagcac cctcggcgca cag 33

<210> 4046

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4046

gcccaactta agggtattag tcagcatgca cag 33

<210> 4047

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4047

gcccaatatt ctagtggtat gactacggca cag 33

<210> 4048

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4048

gcccaaacgg ctattacgat gactagtgca cag 33

<210> 4049

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4049

gcccaaagag gcaacgaact caacaccgca cag 33

<210> 4050

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4050

gcccaagtcg tcagcagcca aatggccgca cag 33

<210> 4051

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4051

gcccaacacc aacacgaaaa catggtcgca cag 33

<210> 4052

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4052

gcccaaagct tcggcggcgt ccccaaagca cag 33

<210> 4053

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4053

gcccaattga tgcgtgatag taagtctgca cag 33

<210> 4054

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4054

gcccaaatga gaaccaacct cagcatggca cag 33

<210> 4055

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4055

gcccaaccga ataatcctgt ggtgcctgca cag 33

<210> 4056

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4056

gcccaaaggg ttagtcagtc tatgggtgca cag 33

<210> 4057

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4057

gcccaagctg agggtcctca gaagacggca cag 33

<210> 4058

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4058

gcccaactta attctgtggt tcatacggca cag 33

<210> 4059

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4059

gcccaactgt tgacgttgaa ttcggctgca cag 33

<210> 4060

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4060

gcccaaacgc ttgctcctcg gagggatgca cag 33

<210> 4061

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4061

gcccaaagag tcgccaaccc cgccaccgca cag 33

<210> 4062

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4062

gcccaattgc cggatcctag gttgcaggca cag 33

<210> 4063

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4063

gcccaaaaaa tggacgtcgg cgaagccgca cag 33

<210> 4064

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4064

gcccaaggtc cgtctcctat ggttatggca cag 33

<210> 4065

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4065

gcccaaggca ccaacaaagc caccgccgca cag 33

<210> 4066

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4066

gcccaactca gcgcccacgg caccaccgca cag 33

<210> 4067

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4067

gcccaaacca gcagatacaa cagcgccgca cag 33

<210> 4068

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4068

gcccaaggcc ccaacagcag cttcaaagca cag 33

<210> 4069

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4069

gcccaaagtg ttgggagggc tccgattgca cag 33

<210> 4070

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4070

gcccaatttc agggtgagaa gacgtgggca cag 33

<210> 4071

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4071

gcccaaacca gcagcgccag aaccatcgca cag 33

<210> 4072

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4072

gcccaagctg agcgtactgg gactgcggca cag 33

<210> 4073

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4073

gcccaactca acctcggcac ccccaaagca cag 33

<210> 4074

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4074

gcccaagctg cgccggttgg gtctagggca cag 33

<210> 4075

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4075

gcccaaatga gacaagccaa ccaccccgca cag 33

<210> 4076

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4076

gcccaagagc agcagcgtga tgtgctggca cag 33

<210> 4077

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4077

gcccaaccca aaagcgacga actcaccgca cag 33

<210> 4078

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4078

gcccaaaatg ctcgtgttca ggagactgca cag 33

<210> 4079

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4079

gcccaaacta cggttgctac tcagtcggca cag 33

<210> 4080

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4080

gcccaaaccg aagtcagcca cagacccgca cag 33

<210> 4081

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4081

gcccaaagca gcaccgtcaa aaacgtcgca cag 33

<210> 4082

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4082

gcccaaatcg acagccacct caacagagca cag 33

<210> 4083

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4083

gcccaaggtt cgactcagct gagtctggca cag 33

<210> 4084

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4084

gcccaagacg gcagccccgc caccaaagca cag 33

<210> 4085

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4085

gcccaacaaa ccggcaacag ccaagccgca cag 33

<210> 4086

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4086

gcccaaagac aagacgtcaa cgtcagcgca cag 33

<210> 4087

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4087

gcccaactcg actacggcgt caaaagcgca cag 33

<210> 4088

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4088

gcccaaggtt ctcgtcctga ggcgccggca cag 33

<210> 4089

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4089

gcccaatgga gcaacatgac cgccgccgca cag 33

<210> 4090

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4090

gcccaaacta atactactcg gatttctgca cag 33

<210> 4091

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4091

gcccaacctt atgcggagag gcaggctgca cag 33

<210> 4092

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4092

gcccaaacca gcagcgccac cgtcctcgca cag 33

<210> 4093

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4093

gcccaagcgc agactgattt taggcaggca cag 33

<210> 4094

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4094

gcccaaaaca gcggcaacga acacagcgca cag 33

<210> 4095

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4095

gcccaaaagc cgctgattaa tgctactgca cag 33

<210> 4096

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4096

gcccaaatgg ggagttcgtc ggcgtttgca cag 33

<210> 4097

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4097

gcccaaattg gtaataagac gagtctggca cag 33

<210> 4098

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4098

gcccaagccg ccaacaccgc ccccaaagca cag 33

<210> 4099

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4099

gcccaactcg tcgaccaaag agccaccgca cag 33

<210> 4100

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4100

gcccaacaag tcaaactcgg cagcaccgca cag 33

<210> 4101

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4101

gcccaactca ccagcaacac ccacgtcgca cag 33

<210> 4102

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4102

gcccaagtct acagcgccat caacaaagca cag 33

<210> 4103

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4103

gcccaaagag ccaacggcag cgacctcgca cag 33

<210> 4104

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4104

gcccaaaacc tcaaaagcca aaccgaagca cag 33

<210> 4105

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4105

gcccaaagct acggcaacga aatcagagca cag 33

<210> 4106

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4106

gcccaactca ccagaggcgc catcggcgca cag 33

<210> 4107

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4107

gcccaaccca tcagaaccgt cgacaccgca cag 33

<210> 4108

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4108

gcccaacgga gtatgcctga tggttcggca cag 33

<210> 4109

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4109

gcccaaaccg cccacaccgg ccccctcgca cag 33

<210> 4110

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4110

gcccaatcgc aggggagtcc gctttcggca cag 33

<210> 4111

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4111

gcccaactcc aagccatcgc ccacagcgca cag 33

<210> 4112

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4112

gcccaaggca acagcctcag caccagcgca cag 33

<210> 4113

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4113

gcccaactca cccacagaga agccgaagca cag 33

<210> 4114

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4114

gcccaaacgt tgcatctggc gaaggaggca cag 33

<210> 4115

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4115

gcccaaaaca tcagcagcag cggcaaagca cag 33

<210> 4116

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4116

gcccaaggca gacacatggt catggaagca cag 33

<210> 4117

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4117

gcccaaggtg agaggtttgg ggggcctgca cag 33

<210> 4118

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4118

gcccaatata gtgggtcttc tactaaggca cag 33

<210> 4119

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4119

gcccaaaagg agtctgttag tgcgaatgca cag 33

<210> 4120

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4120

gcccaaatta cgagtgatgg gaagccggca cag 33

<210> 4121

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4121

gcccaaggtc atgatgcgcg tgtggttgca cag 33

<210> 4122

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4122

gcccaaacca gcagcaacgg cgtcagagca cag 33

<210> 4123

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4123

gcccaaaatc atcagaatcg gtctttggca cag 33

<210> 4124

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4124

gcccaacggg ttccggagca gaatgtggca cag 33

<210> 4125

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4125

gcccaaagcg cccaactcag aagcagcgca cag 33

<210> 4126

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4126

gcccaacacg ccaaaagcga aacctacgca cag 33

<210> 4127

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4127

gcccaactcc tcacccaagt cgaaaccgca cag 33

<210> 4128

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4128

gcccaaacca aaaccgccga cacctacgca cag 33

<210> 4129

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4129

gcccaagtta tgcctgctac gttgagtgca cag 33

<210> 4130

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4130

gcccaatacc aagccaacaa cctcatcgca cag 33

<210> 4131

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4131

gcccaagtca gagtccccga cagcagcgca cag 33

<210> 4132

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4132

gcccaacacc aaaccggcag cggcttcgca cag 33

<210> 4133

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4133

gcccaaagtg ctacgttgag tgggtatgca cag 33

<210> 4134

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4134

gcccaaaatg gttctgcgac gtattctgca cag 33

<210> 4135

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4135

gcccaaagca ccagacccac cctcaccgca cag 33

<210> 4136

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4136

gcccaaagac ccgccgacgt cagccaagca cag 33

<210> 4137

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4137

gcccaaagcc acctcagcag caccggcgca cag 33

<210> 4138

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4138

gcccaagcta atcagtctta tgatcgggca cag 33

<210> 4139

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4139

gcccaaagca gcggcgacag aaccgccgca cag 33

<210> 4140

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4140

gcccaaggca gcgtccccgg cctcaacgca cag 33

<210> 4141

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4141

gcccaactcg tcaccatcca cagcgccgca cag 33

<210> 4142

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4142

gcccaacctc agcatgagac tacgctggca cag 33

<210> 4143

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4143

gcccaaccga cgaagtcggc gcagtatgca cag 33

<210> 4144

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4144

gcccaaaaaa aagaccccgt cctcggcgca cag 33

<210> 4145

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4145

gcccaattta gggttggtcc gtctgctgca cag 33

<210> 4146

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4146

gcccaaacca gcagcggcca cgccgtcgca cag 33

<210> 4147

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4147

gcccaacgtg ttggtgaggc taggatggca cag 33

<210> 4148

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4148

gcccaacgtg ttacgtcgcc ttctaaggca cag 33

<210> 4149

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4149

gcccaagata ggatgccttc tacgattgca cag 33

<210> 4150

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4150

gcccaacaag gcgacaccag caaacacgca cag 33

<210> 4151

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4151

gcccaaagca ccagcagcaa cagagccgca cag 33

<210> 4152

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4152

gcccaaaagg tgcctacggg ttatacggca cag 33

<210> 4153

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4153

gcccaattca aaggccaaag aaacgacgca cag 33

<210> 4154

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4154

gcccaaggta atcatttggg gaatgaggca cag 33

<210> 4155

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4155

gcccaagcca gcaaaagctt cgaactcgca cag 33

<210> 4156

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4156

gcccaaaccg tcagagacac caccagagca cag 33

<210> 4157

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4157

gcccaaaagg ttagtccgaa tactcttgca cag 33

<210> 4158

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4158

gcccaaggca gaacccccga aagctacgca cag 33

<210> 4159

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4159

gcccaacagg tgtcgggggt taggacggca cag 33

<210> 4160

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4160

gcccaataca ccggcatcag caccagcgca cag 33

<210> 4161

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4161

gcccaacaaa ccgccgaacc ccacaaagca cag 33

<210> 4162

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4162

gcccaacttg gtcctgtggg ttctccggca cag 33

<210> 4163

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4163

gcccaagcca gagacgacag caccgacgca cag 33

<210> 4164

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4164

gcccaaaatt ttaagcatag tgaggtggca cag 33

<210> 4165

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4165

gcccaaatta ctactcctct gcaggcggca cag 33

<210> 4166

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4166

gcccaaccca tgagcagcag agaaagagca cag 33

<210> 4167

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4167

gcccaagtcg aaaacggcaa aggcctcgca cag 33

<210> 4168

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4168

gcccaaacca gcaacagcgg cctcgccgca cag 33

<210> 4169

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4169

gcccaaggca acagcctcgc caaccccgca cag 33

<210> 4170

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4170

gcccaagcca gcaacgaagc ccacgccgca cag 33

<210> 4171

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4171

gcccaaggcc tcgccggcag cacccccgca cag 33

<210> 4172

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4172

gcccaagtcc ccgcccccgg cagatacgca cag 33

<210> 4173

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4173

gcccaagcca gcgacagact catcgccgca cag 33

<210> 4174

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4174

gcccaaatca gcacctggca aacccaagca cag 33

<210> 4175

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4175

gcccaaatca ccagcggcgc caccgtcgca cag 33

<210> 4176

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4176

gcccaacttg cgaaggcgag taatgttgca cag 33

<210> 4177

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4177

gcccaaccgc aggggacgtt tgggagtgca cag 33

<210> 4178

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4178

gcccaaattg ttcggccgcc gaatagtgca cag 33

<210> 4179

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4179

gcccaaacca gccacctcac cagcgccgca cag 33

<210> 4180

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4180

gcccaactcc accccgaaac catgagagca cag 33

<210> 4181

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4181

gcccaagtcc tccacgacac cagatacgca cag 33

<210> 4182

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4182

gcccaagtca gcaacccccc cagaggcgca cag 33

<210> 4183

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4183

gcccaagagc ctctgatgac taggcctgca cag 33

<210> 4184

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4184

gcccaagaca gagtcagcag cagccacgca cag 33

<210> 4185

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4185

gcccaaacta agactggtca ttcgagtgca cag 33

<210> 4186

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4186

gcccaatcgt cgtattctcc tgttactgca cag 33

<210> 4187

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4187

gcccaaaaac ccaacctcca aaacaacgca cag 33

<210> 4188

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4188

gcccaactca aaagcccccc cggcatcgca cag 33

<210> 4189

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4189

gcccaaggga tgcagctggg gatgccggca cag 33

<210> 4190

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4190

gcccaacatc aggcgaatct tacgttggca cag 33

<210> 4191

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4191

gcccaaactg gtcatcctac gactgcggca cag 33

<210> 4192

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4192

gcccaattca tcggcagcca cctcggcgca cag 33

<210> 4193

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4193

gcccaaagga atgagagtaa tgggccggca cag 33

<210> 4194

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4194

gcccaaaaga ttgagacgaa tggtaatgca cag 33

<210> 4195

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4195

gcccaatatc ttcagaatgg tgttgttgca cag 33

<210> 4196

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4196

gcccaaagac ccggcatgct cggcaccgca cag 33

<210> 4197

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4197

gcccaattga cgcagattgg gactgctgca cag 33

<210> 4198

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4198

gcccaaaacg aagacgtcca aagagccgca cag 33

<210> 4199

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4199

gcccaacatt tggctgatca gagtcgtgca cag 33

<210> 4200

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4200

gcccaattgg gtaatgatac ggtgagggca cag 33

<210> 4201

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4201

gcccaaaaca accaccacgt ccccccgca cag 33

<210> 4202

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4202

gcccaagaca aagccggcac cctcagcgca cag 33

<210> 4203

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4203

gcccaacgta ctaagaatga gtcgatggca cag 33

<210> 4204

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4204

gcccaattta atgttgtgcg tggtgatgca cag 33

<210> 4205

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4205

gcccaaatcg tcagaggcat gaaccaagca cag 33

<210> 4206

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4206

gcccaacaac acacccccac cctcaacgca cag 33

<210> 4207

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4207

gcccaaagcc tcggcaaaga acccctcgca cag 33

<210> 4208

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4208

gcccaaagca gcggccacgg cctcaacgca cag 33

<210> 4209

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4209

gcccaacgga ttaatagtga ttctactgca cag 33

<210> 4210

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4210

gcccaaaatc cgcataatca tcctgttgca cag 33

<210> 4211

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4211

gcccaatcgc ataagccgtc gacggttgca cag 33

<210> 4212

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4212

gcccaaagca gcatgagcac cacctacgca cag 33

<210> 4213

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4213

gcccaaggtg ctgctgcttc taatcctgca cag 33

<210> 4214

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4214

gcccaaatga accaaagaga acaaaaagca cag 33

<210> 4215

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4215

gcccaatcgt atcctagtaa tccgcgggca cag 33

<210> 4216

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4216

gcccaactgc gtgattttgt gactgatgca cag 33

<210> 4217

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4217

gcccaaaaca acaccgtcat gagaagcgca cag 33

<210> 4218

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4218

gcccaactca gccccagaaa atacatcgca cag 33

<210> 4219

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4219

gcccaacaca tcagaccccc cagccccgca cag 33

<210> 4220

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4220

gcccaacctt atgtgtcgac tactgcggca cag 33

<210> 4221

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4221

gcccaagtca accacggcag ccccaccgca cag 33

<210> 4222

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4222

gcccaaagtg gttatcttaa tggtgcggca cag 33

<210> 4223

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4223

gcccaaagtc gggagaggac gtctgatgca cag 33

<210> 4224

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4224

gcccaaaccc acagcgtcac cagaagcgca cag 33

<210> 4225

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4225

gcccaacttg ttgcgaataa gaatgcggca cag 33

<210> 4226

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4226

gcccaaaatt ttacggatcg tgctactgca cag 33

<210> 4227

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4227

gcccaatata ggacgagtac tttggcggca cag 33

<210> 4228

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4228

gcccaacacg tcatgaacaa acaagccgca cag 33

<210> 4229

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4229

gcccaagcca ccaacaaccc cgccagcgca cag 33

<210> 4230

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4230

gcccaaacca tcatgaaagc ccaaaccgca cag 33

<210> 4231

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4231

gcccaaggca tgagcaccat gacccccgca cag 33

<210> 4232

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4232

gcccaaggca cccccatcta caaacaagca cag 33

<210> 4233

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4233

gcccaaaatg gtacgttgga gaaggcggca cag 33

<210> 4234

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4234

gcccaaagca acgaaagaac catccccgca cag 33

<210> 4235

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4235

gcccaaattc cggtgtctat tcaggctgca cag 33

<210> 4236

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4236

gcccaaaacc tccaaagaga aggccccgca cag 33

<210> 4237

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4237

gcccaagggg agggtggtaa gtctaatgca cag 33

<210> 4238

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4238

gcccaattgc agggtaatgg gaggaatgca cag 33

<210> 4239

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4239

gcccaactcg tcagcagcac cagcgaagca cag 33

<210> 4240

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4240

gcccaaagcc tcgccggcaa caccaccgca cag 33

<210> 4241

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4241

gcccaattga ctgttggtaa taatgtggca cag 33

<210> 4242

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4242

gcccaaagca tcctcaccag agacagcgca cag 33

<210> 4243

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4243

gcccaagttc ttgttgattc gcgtgcggca cag 33

<210> 4244

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4244

gcccaaggcg tcgccagcac caccaccgca cag 33

<210> 4245

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4245

gcccaacacg gcgccaacct cagcgtcgca cag 33

<210> 4246

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4246

gcccaatcgt ttaatcagcc gtctgttgca cag 33

<210> 4247

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4247

gcccaactca accaaaacca aagagtcgca cag 33

<210> 4248

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4248

gcccaaagaa tcgacagcca agacaccgca cag 33

<210> 4249

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4249

gcccaaaccg tccccggcag acccagcgca cag 33

<210> 4250

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4250

gcccaacgtg agccgaataa tacgagtgca cag 33

<210> 4251

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4251

gcccaagaaa gaatgaccat gcacgccgca cag 33

<210> 4252

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4252

gcccaaattg ctattcagaa tgatcgggca cag 33

<210> 4253

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4253

gcccaacttg gggctcagtc tatttcggca cag 33

<210> 4254

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4254

gcccaagcgg gggataagac gtatgttgca cag 33

<210> 4255

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4255

gcccaaatga ataggactgc gtatactgca cag 33

<210> 4256

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4256

gcccaagcgc tgcctggggg tcttatggca cag 33

<210> 4257

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4257

gcccaactca aaaaccacga caccaccgca cag 33

<210> 4258

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4258

gcccaacccc tcaactacgc cctcgaagca cag 33

<210> 4259

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4259

gcccaaagca aacaaatgca caacgacgca cag 33

<210> 4260

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4260

gcccaaacgg cgcatacgac tccttttgca cag 33

<210> 4261

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4261

gcccaactca aaaccggcga cagccaagca cag 33

<210> 4262

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4262

gcccaatatt ctacgacggc tgagtatgca cag 33

<210> 4263

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4263

gcccaaccgc tggatcggac gggtgaggca cag 33

<210> 4264

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4264

gcccaaggcc ccggcgaagt caaaatcgca cag 33

<210> 4265

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4265

gcccaactca gaaacctcga cctcaacgca cag 33

<210> 4266

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4266

gcccaactgg ggtctacttt gactaaggca cag 33

<210> 4267

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4267

gcccaattga ggcctgtgag tgagcatgca cag 33

<210> 4268

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4268

gcccaaagta ggagtctgac tgagatggca cag 33

<210> 4269

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4269

gcccaaaacg gcctcagcac caccatggca cag 33

<210> 4270

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4270

gcccaacatg ataagacgta tgcgatggca cag 33

<210> 4271

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4271

gcccaagttc cgtcggataa gatgcgtgca cag 33

<210> 4272

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4272

gcccaaggcg cccacaacct cctcaccgca cag 33

<210> 4273

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4273

gcccaaagca ccagcaccat ggtcatggca cag 33

<210> 4274

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4274

gcccaaaaca tggcccacga aagcaaagca cag 33

<210> 4275

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4275

gcccaatatc ttggggtggg tgctactgca cag 33

<210> 4276

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4276

gcccaagcca gcgaatacaa ccaacacgca cag 33

<210> 4277

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4277

gcccaaagag ccgaaggcga caaaatcgca cag 33

<210> 4278

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4278

gcccaatcta gtggtagtag ttttcatgca cag 33

<210> 4279

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4279

gcccaatggg gcaaagaata caccggcgca cag 33

<210> 4280

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4280

gcccaacctg cttcgggggc tatgcctgca cag 33

<210> 4281

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4281

gcccaaaggg gggcggttgt tgtggctgca cag 33

<210> 4282

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4282

gcccaagtga tgatgcagaa tcatgctgca cag 33

<210> 4283

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4283

gcccaacaag acagactcca aagcagagca cag 33

<210> 4284

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4284

gcccaaggtc atgctgctgt ttctgtggca cag 33

<210> 4285

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4285

gcccaagaca aaaccgacag cacccccgca cag 33

<210> 4286

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4286

gcccaagtgc ctccgacttc ttttactgca cag 33

<210> 4287

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4287

gcccaagtcg gccccaacgc ccaacacgca cag 33

<210> 4288

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4288

gcccaacatc atggtcgggc tgatactgca cag 33

<210> 4289

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4289

gcccaacatg ttaatatggg tccggcggca cag 33

<210> 4290

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4290

gcccaacacg ccaccaaaga aaccagcgca cag 33

<210> 4291

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4291

gcccaattgg ctacgggtgt gagtaatgca cag 33

<210> 4292

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4292

gcccaaagcc tcggcagcta ccccaccgca cag 33

<210> 4293

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4293

gcccaaggca gcaaagccta cgtcggcgca cag 33

<210> 4294

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4294

gcccaacaag acagaatgag cgtcaacgca cag 33

<210> 4295

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4295

gcccaatggt cggattctct gagggatgca cag 33

<210> 4296

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4296

gcccaaacga aggtgcctat gactcaggca cag 33

<210> 4297

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4297

gcccaatctc cgttgtctga tcggttggca cag 33

<210> 4298

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4298

gcccaactgt atggtagttc ggttgttgca cag 33

<210> 4299

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4299

gcccaaccga cgcagactgt tagttcggca cag 33

<210> 4300

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4300

gcccaactga ataagctgct tggggcggca cag 33

<210> 4301

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4301

gcccaacatt ctaatcagga gcctcgggca cag 33

<210> 4302

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4302

gcccaaaacg gcgccagcat ccacagcgca cag 33

<210> 4303

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4303

gcccaactca gccaacaaag actccaagca cag 33

<210> 4304

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4304

gcccaactcc cccacggcac catgaacgca cag 33

<210> 4305

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4305

gcccaaagca gccccgacgc caaatacgca cag 33

<210> 4306

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4306

gcccaattcc acacccccgc cggcaacgca cag 33

<210> 4307

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4307

gcccaaagaa ccaccgccaa cagcctcgca cag 33

<210> 4308

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4308

gcccaattgg ataagactat tcctcaggca cag 33

<210> 4309

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4309

gcccaatggc aaggcaacag acaagccgca cag 33

<210> 4310

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4310

gcccaagggt atggtacgat tacgcctgca cag 33

<210> 4311

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4311

gcccaaatga gagaacaaaa caaagccgca cag 33

<210> 4312

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4312

gcccaaaacc tcgccggcct caccggcgca cag 33

<210> 4313

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4313

gcccaatggt ttaaggctgg gagtgctgca cag 33

<210> 4314

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4314

gcccaaatca acgtcgcccc ctacaaagca cag 33

<210> 4315

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4315

gcccaagggg tgcattcgaa tggtcaggca cag 33

<210> 4316

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4316

gcccaaatga gcgccagcac caacaccgca cag 33

<210> 4317

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4317

gcccaaggca gccacaacgc ccaaggcgca cag 33

<210> 4318

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4318

gcccaaatca gcgccgtccc caaaaacgca cag 33

<210> 4319

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4319

gcccaagccg gcggcggcat gcaaaacgca cag 33

<210> 4320

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4320

gcccaactcc tcaacaccac cagcaccgca cag 33

<210> 4321

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4321

gcccaaacta atactgtgag tgctagtgca cag 33

<210> 4322

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4322

gcccaacagt tgtctccgat tgctatggca cag 33

<210> 4323

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4323

gcccaagcgc cgcggggtgt taatttggca cag 33

<210> 4324

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4324

gcccaactta ctcgtacgtc ggtggatgca cag 33

<210> 4325

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4325

gcccaactgg ggcagaaggc gcctactgca cag 33

<210> 4326

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4326

gcccaaaaga atgcgccgcc tctgacggca cag 33

<210> 4327

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4327

gcccaagtca gaaacgccgt ccacgccgca cag 33

<210> 4328

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4328

gcccaaatca gacacatgga cgcccccgca cag 33

<210> 4329

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4329

gcccaaggtg ctcctttggt tgctactgca cag 33

<210> 4330

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4330

gcccaatctg atcataatgc tcgtggggca cag 33

<210> 4331

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4331

gcccaaatca gcgacaccct ccactacgca cag 33

<210> 4332

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4332

gcccaaaaca acagaggcag catcagcgca cag 33

<210> 4333

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4333

gcccaacaaa gagaaagaga cggcgtcgca cag 33

<210> 4334

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4334

gcccaaagta agcaggatgt gcgtgctgca cag 33

<210> 4335

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4335

gcccaaaaca gcggcagact caacgtcgca cag 33

<210> 4336

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4336

gcccaaggcc ccagcgtcga aagcaacgca cag 33

<210> 4337

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4337

gcccaattgc tttcttcttc gccttctgca cag 33

<210> 4338

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4338

gcccaaaaag tcctcgtcag cggcagcgca cag 33

<210> 4339

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4339

gcccaagatg tgcggaatac tattgctgca cag 33

<210> 4340

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4340

gcccaacata agttggtgac gaaggatgca cag 33

<210> 4341

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4341

gcccaaccgt atgtttcggg tgttcctgca cag 33

<210> 4342

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4342

gcccaaacga ctaaggcttc gtttactgca cag 33

<210> 4343

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4343

gcccaaaccc cccacggccc cgacgccgca cag 33

<210> 4344

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4344

gcccaagatt atcgtcagac tgatcatgca cag 33

<210> 4345

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4345

gcccaacaca gccccaaacc cgaccacgca cag 33

<210> 4346

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4346

gcccaagcgt atggtcaggt gcctcctgca cag 33

<210> 4347

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4347

gcccaaagca accaaggcct cgccggcgca cag 33

<210> 4348

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4348

gcccaaatca acagccccat cggcaacgca cag 33

<210> 4349

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4349

gcccaacaaa accaaatcat gagcggcgca cag 33

<210> 4350

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4350

gcccaagtct accaaggcaa ccaaaacgca cag 33

<210> 4351

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4351

gcccaaggca gcaacagcca acacaccgca cag 33

<210> 4352

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4352

gcccaaaagc aggagccgtc ggatagggca cag 33

<210> 4353

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4353

gcccaacaca gaagcagccc cgccgccgca cag 33

<210> 4354

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4354

gcccaaaatg aggggaattc gatgaaggca cag 33

<210> 4355

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4355

gcccaaagac ccgacaaagg ccccatggca cag 33

<210> 4356

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4356

gcccaagcga ttgtgtctca tccgctggca cag 33

<210> 4357

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4357

gcccaaaccc aaggcgaaag acccgtcgca cag 33

<210> 4358

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4358

gcccaatacg tcaacagcgc ccccaaagca cag 33

<210> 4359

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4359

gcccaacctt cggggacttc gattgtggca cag 33

<210> 4360

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4360

gcccaaagcg tcggcgccaa cagaagcgca cag 33

<210> 4361

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4361

gcccaatctg cgcattttaa tcattcggca cag 33

<210> 4362

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4362

gcccaaaaag tcaacagcgc ccacctcgca cag 33

<210> 4363

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4363

gcccaaggtt ttgggaatat gggggctgca cag 33

<210> 4364

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4364

gcccaaaatc ttaagcctga gactgatgca cag 33

<210> 4365

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4365

gcccaaccga attcgaatac tgcgtttgca cag 33

<210> 4366

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4366

gcccaacatg atactctgag gactcctgca cag 33

<210> 4367

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4367

gcccaaaggt ttccgcaggc gcctccggca cag 33

<210> 4368

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4368

gcccaatcgt cgggtaataa gtcggatgca cag 33

<210> 4369

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4369

gcccaaatgt cgaagatggc ggatcgggca cag 33

<210> 4370

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4370

gcccaagaac acagagaaac cagcatcgca cag 33

<210> 4371

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4371

gcccaaagca ccgaataccc cgtccccgca cag 33

<210> 4372

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4372

gcccaagaca aaagcatgaa ccccagcgca cag 33

<210> 4373

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4373

gcccaagaat accacaacaa cctcaaagca cag 33

<210> 4374

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4374

gcccaaattt ttacgaatac gggtcatgca cag 33

<210> 4375

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4375

gcccaaaaaa gcaacagccc cctcgccgca cag 33

<210> 4376

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4376

gcccaataca gcagcggcta caacgccgca cag 33

<210> 4377

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4377

gcccaaggtt ctaagacgca gggggatgca cag 33

<210> 4378

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4378

gcccaaattg tttctgggtc gagtcaggca cag 33

<210> 4379

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4379

gcccaaagcc tcatcaacag cacctacgca cag 33

<210> 4380

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4380

gcccaaaaca tgaaaatcca acacgtcgca cag 33

<210> 4381

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4381

gcccaagatt cgacgaagtt gggtcatgca cag 33

<210> 4382

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4382

gcccaacagt cgcatgggac gtctagtgca cag 33

<210> 4383

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4383

gcccaaaaag acaacaacag aagcgccgca cag 33

<210> 4384

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4384

gcccaattcc aacccagcta cgccgccgca cag 33

<210> 4385

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4385

gcccaaccca ccgtccaaat gaaagccgca cag 33

<210> 4386

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4386

gcccaatcgc cgacgagtag tacttttgca cag 33

<210> 4387

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4387

gcccaaggca gagacgccaa cgtccccgca cag 33

<210> 4388

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4388

gcccaaaccc tcatgagcac cagccccgca cag 33

<210> 4389

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4389

gcccaactgc atggggctac tacgactgca cag 33

<210> 4390

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4390

gcccaaagga ctaatgaggt tatgcgggca cag 33

<210> 4391

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4391

gcccaagata atctgagggt tacggcggca cag 33

<210> 4392

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4392

gcccaaaggc aggcggggga tcagcttgca cag 33

<210> 4393

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4393

gcccaagtcg gccaacacct cacccacgca cag 33

<210> 4394

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4394

gcccaactca gcgccgccag cggcatcgca cag 33

<210> 4395

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4395

gcccaaagca gccacaacgg cttcatcgca cag 33

<210> 4396

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4396

gcccaaaacg ccaccagaca atacagcgca cag 33

<210> 4397

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4397

gcccaagtca gcagacaaag cctcggcgca cag 33

<210> 4398

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4398

gcccaagacg tcgtcaaacc ccacggcgca cag 33

<210> 4399

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4399

gcccaaggga ttgggggtat tagttctgca cag 33

<210> 4400

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4400

gcccaaacta ataatagtct gcgtgaggca cag 33

<210> 4401

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4401

gcccaaacgc gtacggcttc ggcgctggca cag 33

<210> 4402

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4402

gcccaaacta cgacggctcc gagtccggca cag 33

<210> 4403

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4403

gcccaaaacg ccagcatgag cagcatcgca cag 33

<210> 4404

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4404

gcccaaaccc aaccccacag aggcctcgca cag 33

<210> 4405

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4405

gcccaaagac tcgaccacca cagcagcgca cag 33

<210> 4406

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4406

gcccaagaaa acaccaccag aatcgccgca cag 33

<210> 4407

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4407

gcccaaagcc tcagaggcaa cgaagccgca cag 33

<210> 4408

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4408

gcccaaccta atgttccttc gcattctgca cag 33

<210> 4409

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4409

gcccaaggga tgcctttgat gaagatggca cag 33

<210> 4410

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4410

gcccaacaga agactgagcg gacggttgca cag 33

<210> 4411

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4411

gcccaaaacc acaccaacca cagcagcgca cag 33

<210> 4412

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4412

gcccaagggc tggggaatag gtctgctgca cag 33

<210> 4413

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4413

gcccaagacc tcgacaaaag aggcctcgca cag 33

<210> 4414

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4414

gcccaactca ccaacgccca acccgacgca cag 33

<210> 4415

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4415

gcccaaacga agcctgatta tctggttgca cag 33

<210> 4416

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4416

gcccaaaagt tgcagttgca tgaggttgca cag 33

<210> 4417

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4417

gcccaaacgt ctgtgacgat ttcgagtgca cag 33

<210> 4418

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4418

gcccaaaatt cgagtaatag ggctgaggca cag 33

<210> 4419

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4419

gcccaactcg aacacggcac cagaatcgca cag 33

<210> 4420

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4420

gcccaaaccc tccaaatgag agaacacgca cag 33

<210> 4421

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4421

gcccaaggca gccccaccgc ccaaaccgca cag 33

<210> 4422

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4422

gcccaaaata aggggcagac gcttactgca cag 33

<210> 4423

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4423

gcccaatcgg tgggtcatcg ggatatggca cag 33

<210> 4424

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4424

gcccaaagag acaaaagcag catgcacgca cag 33

<210> 4425

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4425

gcccaagtca gcgtcatcaa caacaccgca cag 33

<210> 4426

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4426

gcccaacttc ctaattctgc ttttagtgca cag 33

<210> 4427

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4427

gcccaacgta cggtgtctac ggatgatgca cag 33

<210> 4428

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4428

gcccaactca tggacagaat ggccagcgca cag 33

<210> 4429

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4429

gcccaaccga gtgggtttaa tactttggca cag 33

<210> 4430

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4430

gcccaaaaaa gcgcccaacc catgagcgca cag 33

<210> 4431

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4431

gcccaaaccg gcctcagcgt ccaaaaagca cag 33

<210> 4432

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4432

gcccaacacg gcttccccgc cggccccgca cag 33

<210> 4433

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4433

gcccaaagct acgaagccgt cggcatcgca cag 33

<210> 4434

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4434

gcccaaaccg ccaaaggcgt cctcagcgca cag 33

<210> 4435

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4435

gcccaaggcg ccagcaccca caacgccgca cag 33

<210> 4436

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4436

gcccaaatca tcaaagaaat ccccgccgca cag 33

<210> 4437

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4437

gcccaaaacc acgtcatcag caacggcgca cag 33

<210> 4438

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4438

gcccaataca ccaacatggc cggcgtcgca cag 33

<210> 4439

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4439

gcccaattca acagaatcgg cgccggcgca cag 33

<210> 4440

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4440

gcccaatgga gcaccatgat gaaaagcgca cag 33

<210> 4441

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4441

gcccaaaccg cccccgccaa ccacgtcgca cag 33

<210> 4442

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4442

gcccaaatgc atgggggttc ggagctggca cag 33

<210> 4443

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4443

gcccaaatga gtaggatggg ggtggcggca cag 33

<210> 4444

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4444

gcccaaactc ggattagtga ggttcttgca cag 33

<210> 4445

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4445

gcccaaagcg gccccggcct cagaaccgca cag 33

<210> 4446

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4446

gcccaagata agcgtcatca tgcggaggca cag 33

<210> 4447

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4447

gcccaattga cgcagaatga tcggcctgca cag 33

<210> 4448

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4448

gcccaaagcg tcaccaccag ccacgtcgca cag 33

<210> 4449

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4449

gcccaaatgc tcaccggcgg caccaacgca cag 33

<210> 4450

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4450

gcccaagaca acgtcgccaa cgccggcgca cag 33

<210> 4451

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4451

gcccaaatga ccaccaacag catcgccgca cag 33

<210> 4452

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4452

gcccaaatgc gtacgcagtc tctgtcggca cag 33

<210> 4453

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4453

gcccaatacg gcagcttcac cggccaagca cag 33

<210> 4454

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4454

gcccaaggcc ccatgctcct caaagccgca cag 33

<210> 4455

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4455

gcccaaatga cccaaaaagc ccccgtcgca cag 33

<210> 4456

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4456

gcccaaagcg ccaacgccac caaactcgca cag 33

<210> 4457

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4457

gcccaattca acggcagcct cgccatggca cag 33

<210> 4458

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4458

gcccaaattg ttaatgctaa gcttactgca cag 33

<210> 4459

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4459

gcccaaatgt tcagcggcct ccaagccgca cag 33

<210> 4460

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4460

gcccaagtgg attatcgggt gaatggtgca cag 33

<210> 4461

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4461

gcccaactgg cttcggctgg taatggtgca cag 33

<210> 4462

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4462

gcccaacgtg atcttcattc taaggatgca cag 33

<210> 4463

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4463

gcccaaagcc acgtcagcag aaccgccgca cag 33

<210> 4464

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4464

gcccaaaccc ccgtccaaag cctcagcgca cag 33

<210> 4465

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4465

gcccaatacc tcaacggcag cgaactcgca cag 33

<210> 4466

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4466

gcccaacctg ctttgaagac tcatgaggca cag 33

<210> 4467

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4467

gcccaaaata agtctctgac ttctgatgca cag 33

<210> 4468

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4468

gcccaatata atgctactaa gtcgagtgca cag 33

<210> 4469

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4469

gcccaaatgc gggataagag tcatgatgca cag 33

<210> 4470

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4470

gcccaacaca gaaccgaagg ccaaaacgca cag 33

<210> 4471

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4471

gcccaactcc acaaacccga cgaattcgca cag 33

<210> 4472

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4472

gcccaaattg ctgcgaggcc tccttcggca cag 33

<210> 4473

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4473

gcccaaacgc ctacgcatta ttctcatgca cag 33

<210> 4474

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4474

gcccaatcga ctttttcggc tgatagggca cag 33

<210> 4475

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4475

gcccaacagt cggtgcaggt gacggctgca cag 33

<210> 4476

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4476

gcccaactcg acagcagcag aaacagagca cag 33

<210> 4477

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4477

gcccaaagac aaccccaaag caccgtcgca cag 33

<210> 4478

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4478

gcccaaagag tcgacgacgg cgtcagagca cag 33

<210> 4479

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4479

gcccaaaaaa tcaccaacac ctacagcgca cag 33

<210> 4480

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4480

gcccaacctg ggaaggcgac tcctcctgca cag 33

<210> 4481

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4481

gcccaattca gcacccacac ccccccgca cag 33

<210> 4482

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4482

gcccaactcg cccccaacat gagactcgca cag 33

<210> 4483

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4483

gcccaaaacc tccccagaac caacgtcgca cag 33

<210> 4484

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4484

gcccaagaga cgagtaatgt gaatcgtgca cag 33

<210> 4485

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4485

gcccaaggca gcaccgacca cagactcgca cag 33

<210> 4486

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4486

gcccaagtca acaccgccat gcccgccgca cag 33

<210> 4487

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4487

gcccaaatgg ttgctcggga tcagaatgca cag 33

<210> 4488

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4488

gcccaaaaaa acaaccccgt cctccacgca cag 33

<210> 4489

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4489

gcccaagatt cgacgacggt taggcttgca cag 33

<210> 4490

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4490

gcccaaaaac tcaacgtcat gaacgacgca cag 33

<210> 4491

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4491

gcccaaagcc tcagagacaa aaacgccgca cag 33

<210> 4492

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4492

gcccaaggtg ttggtaatag tctgagtgca cag 33

<210> 4493

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4493

gcccaattca gcaaaaccaa cttcaacgca cag 33

<210> 4494

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4494

gcccaagcta atcggccttc gctgcctgca cag 33

<210> 4495

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4495

gcccaagaca gccaaaccaa cagagtcgca cag 33

<210> 4496

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4496

gcccaaattt cgacgtcgtc tccggttgca cag 33

<210> 4497

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4497

gcccaaatcc tcaaaatcac cgaaggcgca cag 33

<210> 4498

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4498

gcccaatttc gtccggcgtc tgagattgca cag 33

<210> 4499

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4499

gcccaaaaaa aagacagcga acccctcgca cag 33

<210> 4500

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4500

gcccaaaacg ccagacccct caccgccgca cag 33

<210> 4501

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4501

gcccaaaagg cggctaggat ggagactgca cag 33

<210> 4502

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4502

gcccaacacg ccaacgtcag cagcagagca cag 33

<210> 4503

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4503

gcccaaacca gcaccaccca aaccagcgca cag 33

<210> 4504

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4504

gcccaaagtg cgttgtcgct gagtccggca cag 33

<210> 4505

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4505

gcccaagcta atgttcagat tcagtcggca cag 33

<210> 4506

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4506

gcccaaaccc ccagcagcaa cagcctcgca cag 33

<210> 4507

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4507

gcccaaacga tgacggggcc tggtcatgca cag 33

<210> 4508

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4508

gcccaaatta ctgctcagat tacgaatgca cag 33

<210> 4509

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4509

gcccaacttc ctaatccttc gtctcgggca cag 33

<210> 4510

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4510

gcccaaaaga tggggactat gacgcctgca cag 33

<210> 4511

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4511

gcccaataca ccaacggcag aatcaacgca cag 33

<210> 4512

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4512

gcccaagatg ggagtaatgt ggtgaaggca cag 33

<210> 4513

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4513

gcccaactcc ccctcagcat ccccgccgca cag 33

<210> 4514

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4514

gcccaagaaa gcagactcag cagcagcgca cag 33

<210> 4515

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4515

gcccaaatga gtccttctcg gggtaatgca cag 33

<210> 4516

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4516

gcccaaagcg tccacgccgc caaacaagca cag 33

<210> 4517

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4517

gcccaagcgt tttctagtgg tacttcggca cag 33

<210> 4518

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4518

gcccaaactg ggtggtctcc ttcgcctgca cag 33

<210> 4519

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4519

gcccaagcgt cgcatagtgc gagtggtgca cag 33

<210> 4520

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4520

gcccaagtca cccccagaag ccccctcgca cag 33

<210> 4521

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4521

gcccaaactg agcgtgatac tagtcgtgca cag 33

<210> 4522

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4522

gcccaataca ccctcaccgg caccaccgca cag 33

<210> 4523

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4523

gcccaagacc tcagagtcag cagagacgca cag 33

<210> 4524

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4524

gcccaactta ttgcgtcgca tacggcggca cag 33

<210> 4525

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4525

gcccaacagc gttctgagaa ttcgcatgca cag 33

<210> 4526

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4526

gcccaaagtg cgagtaatca gacttatgca cag 33

<210> 4527

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4527

gcccaattgg agaaggtgct gcagccggca cag 33

<210> 4528

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4528

gcccaaaata gtggtccgtt ggtgattgca cag 33

<210> 4529

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4529

gcccaaggca ccatccacag ccccgtcgca cag 33

<210> 4530

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4530

gcccaaaaca aaaacggcga agtcctcgca cag 33

<210> 4531

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4531

gcccaaccca tgaacgaaag agaaagagca cag 33

<210> 4532

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4532

gcccaaggca gcaacaacct ccaccccgca cag 33

<210> 4533

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4533

gcccaaatga gcctccacgc caaaagcgca cag 33

<210> 4534

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4534

gcccaacaag aaaaagccct cgccagagca cag 33

<210> 4535

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4535

gcccaagatc gtagtacgca tgctaaggca cag 33

<210> 4536

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4536

gcccaaattg tgaggggtga tacgtctgca cag 33

<210> 4537

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4537

gcccaaagca gcggcggcat gaacgaagca cag 33

<210> 4538

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4538

gcccaaaagt tgcatgctgt tgaggctgca cag 33

<210> 4539

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4539

gcccaaatgt tcgccgaagg caccgtcgca cag 33

<210> 4540

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4540

gcccaaaccc tcggcagagt cccccaagca cag 33

<210> 4541

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4541

gcccaactcc tcggcaacaa agacaaagca cag 33

<210> 4542

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4542

gcccaaagag tcaacaccag caccgacgca cag 33

<210> 4543

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4543

gcccaacccc aaggcgtcag ccccgccgca cag 33

<210> 4544

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4544

gcccaaggcg ccgtcctcag caaagccgca cag 33

<210> 4545

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4545

gcccaactcg gccacgccgc caccagcgca cag 33

<210> 4546

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4546

gcccaaagcg gcttcagcag caccgccgca cag 33

<210> 4547

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4547

gcccaattgg tgaatcagcc tcagtcggca cag 33

<210> 4548

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4548

gcccaaggtc gtgcggaggt ggggattgca cag 33

<210> 4549

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4549

gcccaagtcc tcgccaccaa aaacagcgca cag 33

<210> 4550

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4550

gcccaacagg ctcatgcgtt tgcggatgca cag 33

<210> 4551

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4551

gcccaaaacc tcgacaccgt caaaaccgca cag 33

<210> 4552

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4552

gcccaacgtc cgcagactct gccgaatgca cag 33

<210> 4553

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4553

gcccaaaacc ccagaaacag ccccaccgca cag 33

<210> 4554

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4554

gcccaacatg tgcagatgga tgcggatgca cag 33

<210> 4555

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4555

gcccaaactt atcggactga gccggtggca cag 33

<210> 4556

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4556

gcccaacccg gcctcgtcaa catgagcgca cag 33

<210> 4557

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4557

gcccaaagcc tcagccaagg ccccgccgca cag 33

<210> 4558

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4558

gcccaactgg gtgcttctgg ttatacggca cag 33

<210> 4559

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4559

gcccaaagcg ccgtcaccac catgcccgca cag 33

<210> 4560

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4560

gcccaaaagg tgaatgctga gcttcttgca cag 33

<210> 4561

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4561

gcccaaccgt ttacgcctaa gttgagtgca cag 33

<210> 4562

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4562

gcccaaatga gaagcaccaa cgccagcgca cag 33

<210> 4563

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4563

gcccaagtga tgtatgcgcg tggggatgca cag 33

<210> 4564

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4564

gcccaacggg ttggtagtac gatgcaggca cag 33

<210> 4565

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4565

gcccaattga cggtggcggt tgagactgca cag 33

<210> 4566

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4566

gcccaatgga ctaattctgg tagttctgca cag 33

<210> 4567

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4567

gcccaacacg ccatgagagg caccggcgca cag 33

<210> 4568

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4568

gcccaacacc aagacgtcag aggcagcgca cag 33

<210> 4569

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4569

gcccaaagct tccaaagaga aatccccgca cag 33

<210> 4570

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4570

gcccaactcc aaagagccgc cctcaacgca cag 33

<210> 4571

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4571

gcccaaagcg acgccaccat cagacccgca cag 33

<210> 4572

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4572

gcccaacaaa tgagcaccgg cagagtcgca cag 33

<210> 4573

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4573

gcccaaagaa gcacccaagc catccccgca cag 33

<210> 4574

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4574

gcccaacaaa tcagagacgc caacgccgca cag 33

<210> 4575

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4575

gcccaactcc acaccagcaa cgcctacgca cag 33

<210> 4576

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4576

gcccaatctt ctgggctggg gacgcctgca cag 33

<210> 4577

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4577

gcccaagacc acaaacccgt cagagacgca cag 33

<210> 4578

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4578

gcccaaatga aactcgtcag cgtcggcgca cag 33

<210> 4579

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4579

gcccaaggtg agcagagtct taaggcggca cag 33

<210> 4580

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4580

gcccaaatga ccagcggcac caacggcgca cag 33

<210> 4581

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4581

gcccaacatg cggctaaggg tgttgttgca cag 33

<210> 4582

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4582

gcccaaagca gcagacaaaa cgaacccgca cag 33

<210> 4583

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4583

gcccaagccc tcatcaacag acccaacgca cag 33

<210> 4584

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4584

gcccaattga ggtcttctat ggcgtctgca cag 33

<210> 4585

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4585

gcccaaaata atgagtattc gaagctggca cag 33

<210> 4586

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4586

gcccaaactg ggcgtttgaa tggggaggca cag 33

<210> 4587

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4587

gcccaaacca acagccacgc cgtcagagca cag 33

<210> 4588

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4588

gcccaaatcg tcaccaacca cagccacgca cag 33

<210> 4589

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4589

gcccaagccc tcaccagaga catcaccgca cag 33

<210> 4590

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4590

gcccaaggca tcgccaacca aggcgtcgca cag 33

<210> 4591

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4591

gcccaaaata ctgtgcgttc tcagcaggca cag 33

<210> 4592

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4592

gcccaaatgg agaattcgaa taaggctgca cag 33

<210> 4593

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4593

gcccaaggta cggttagggt gcaggctgca cag 33

<210> 4594

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4594

gcccaaacca ccagccacct catcgacgca cag 33

<210> 4595

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4595

gcccaaggta cgcaggcgca tcagggtgca cag 33

<210> 4596

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4596

gcccaaaaaa tgagcgccag cagcgtcgca cag 33

<210> 4597

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4597

gcccaaagcc tcaaagtcaa ccccggcgca cag 33

<210> 4598

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4598

gcccaatcga ctgggacgtc tactcttgca cag 33

<210> 4599

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4599

gcccaagttt tgacgaatcg tgagcaggca cag 33

<210> 4600

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4600

gcccaactcg acgtcagcag aaccctcgca cag 33

<210> 4601

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4601

gcccaatcgt ttgggactga gagtcgtgca cag 33

<210> 4602

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4602

gcccaacagc ttgcgaaggg gaattatgca cag 33

<210> 4603

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4603

gcccaagcca aaaacgaccc cagagccgca cag 33

<210> 4604

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4604

gcccaactca cccaagtcgg cggcaccgca cag 33

<210> 4605

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4605

gcccaaaagc agaatactac ttctctggca cag 33

<210> 4606

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4606

gcccaacttt cgactagggc tgaggatgca cag 33

<210> 4607

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4607

gcccaaaccg tccccaacat ccccatggca cag 33

<210> 4608

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4608

gcccaaaatt cgttgtctaa gctgtcggca cag 33

<210> 4609

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4609

gcccaaatga atgagcatca gatgaaggca cag 33

<210> 4610

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4610

gcccaagacg tcaaaggcca ccaaagcgca cag 33

<210> 4611

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4611

gcccaagacg tcagcctcca aaaagacgca cag 33

<210> 4612

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4612

gcccaaacca gacccagcgg cacctacgca cag 33

<210> 4613

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4613

gcccaagtta aggggccgga ttctcttgca cag 33

<210> 4614

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4614

gcccaaaacc acagcagcta cgaactcgca cag 33

<210> 4615

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4615

gcccaaaccg tcagaacccc cctcatcgca cag 33

<210> 4616

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4616

gcccaagcca gcatcgacag ccaacacgca cag 33

<210> 4617

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4617

gcccaagatc agaagaattc tgggcatgca cag 33

<210> 4618

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4618

gcccaactcg acaccaacaa caaagccgca cag 33

<210> 4619

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4619

gcccaagcga gtgctcatgc gcaggttgca cag 33

<210> 4620

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4620

gcccaagaca gcggcaaaca caacgacgca cag 33

<210> 4621

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4621

gcccaactta atcggaatag tggtatggca cag 33

<210> 4622

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4622

gcccaaccca ccatgctccc cgacaaagca cag 33

<210> 4623

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4623

gcccaaagca cccaagtcag caactacgca cag 33

<210> 4624

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4624

gcccaatcta atcagacgct gatgagtgca cag 33

<210> 4625

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4625

gcccaaagaa accccggcag caccagcgca cag 33

<210> 4626

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4626

gcccaacgta tggctcaggg ttatagtgca cag 33

<210> 4627

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4627

gcccaacagg ttatgcgtca gagtagtgca cag 33

<210> 4628

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4628

gcccaaaaga atacgacggt tagtgatgca cag 33

<210> 4629

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4629

gcccaaaccg gcaaaaccgc cagagacgca cag 33

<210> 4630

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4630

gcccaaatcc tcagaaccct caccgaagca cag 33

<210> 4631

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4631

gcccaaagac tcgacaacgc cggcatggca cag 33

<210> 4632

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4632

gcccaaagtg gtactggtag gcagcaggca cag 33

<210> 4633

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4633

gcccaactcg gcaaagacac cttcagcgca cag 33

<210> 4634

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4634

gcccaacggt atgatgggtc tgtggctgca cag 33

<210> 4635

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4635

gcccaagccc actaccccgc cagcaccgca cag 33

<210> 4636

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4636

gcccaaaaaa gcaacggcag ccccctcgca cag 33

<210> 4637

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4637

gcccaaagag acctcgtcct caccaaagca cag 33

<210> 4638

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4638

gcccaaacca gcaaccccgg caacatggca cag 33

<210> 4639

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4639

gcccaattgc cgaggccgag taatacggca cag 33

<210> 4640

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4640

gcccaaaccg gcggcggcag cttcagcgca cag 33

<210> 4641

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4641

gcccaatacc ccaacaaaga actcagcgca cag 33

<210> 4642

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4642

gcccaaacga tggtgcatca ggagtctgca cag 33

<210> 4643

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4643

gcccaagtta atagtaataa ttcgatggca cag 33

<210> 4644

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4644

gcccaaaacg gcgtccacgt caccccgca cag 33

<210> 4645

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4645

gcccaagcca aatacctcaa cagcaacgca cag 33

<210> 4646

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4646

gcccaaggta tgacgaagaa tggtggggca cag 33

<210> 4647

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4647

gcccaacggg cgcgtgatga gggtatggca cag 33

<210> 4648

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4648

gcccaagtcc ccagccccgg cgccaccgca cag 33

<210> 4649

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4649

gcccaaaaaa cccaactcgg ccaaatggca cag 33

<210> 4650

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4650

gcccaatcta cttcgacgat tcagccggca cag 33

<210> 4651

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4651

gcccaacgta aggagaatgc tagttatgca cag 33

<210> 4652

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4652

gcccaactga cgaatcatgg gaatgttgca cag 33

<210> 4653

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4653

gcccaactcg acaacgtcca cagccacgca cag 33

<210> 4654

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4654

gcccaaccca ccatggccgt caccccgca cag 33

<210> 4655

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4655

gcccaaaagc ctgagcgtac tgaggcggca cag 33

<210> 4656

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4656

gcccaaaccg gcgacagaaa aagcggcgca cag 33

<210> 4657

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4657

gcccaagcta agcatacttc gtttcctgca cag 33

<210> 4658

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4658

gcccaagggt tggttgcgtc gttgggggca cag 33

<210> 4659

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4659

gcccaatctg ttcctaggtc ggagttggca cag 33

<210> 4660

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4660

gcccaagctg agaggattgg tatgggtgca cag 33

<210> 4661

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4661

gcccaatctc tggttcggca gtctgatgca cag 33

<210> 4662

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4662

gcccaacacg tcaaagccaa ccccatcgca cag 33

<210> 4663

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4663

gcccaagtcg tcgacaccct caaaaacgca cag 33

<210> 4664

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4664

gcccaacaga ttccttataa ttcgtcggca cag 33

<210> 4665

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4665

gcccaagctg atcattctat gcatgttgca cag 33

<210> 4666

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4666

gcccaaaacc acgtcaccgc ccaagccgca cag 33

<210> 4667

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4667

gcccaaacca acttcaccaa aagcggcgca cag 33

<210> 4668

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4668

gcccaatatg gtcattcgat gactaatgca cag 33

<210> 4669

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4669

gcccaaatga gacccgacct caaaaccgca cag 33

<210> 4670

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4670

gcccaaggcc ccggcaccag cttcaaagca cag 33

<210> 4671

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4671

gcccaaagtt ctacgactcc tgggcttgca cag 33

<210> 4672

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4672

gcccaatcgg tgaaggctaa tcctactgca cag 33

<210> 4673

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4673

gcccaaaccc ccaccgtctt caccccgca cag 33

<210> 4674

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4674

gcccaaatgc tgcctagtcc tgggtcggca cag 33

<210> 4675

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4675

gcccaaaact tcgactacgc caaacccgca cag 33

<210> 4676

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4676

gcccaaaccc tcaacaccag ccccatggca cag 33

<210> 4677

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4677

gcccaaacca acagccccaa aagcaccgca cag 33

<210> 4678

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4678

gcccaagtca cccccggcag atacagcgca cag 33

<210> 4679

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4679

gcccaaacca gagtcagcaa cctcgacgca cag 33

<210> 4680

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4680

gcccaaagtc atggtcctga taggacggca cag 33

<210> 4681

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4681

gcccaaaata ttcatacggc tacgactgca cag 33

<210> 4682

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4682

gcccaattgc ttccgcagac tacgcttgca cag 33

<210> 4683

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4683

gcccaacgta ctaatgatac ttcggcggca cag 33

<210> 4684

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4684

gcccaagaaa gaaacggcag ccacgaagca cag 33

<210> 4685

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4685

gcccaaaaca ccagagaagc cttcatcgca cag 33

<210> 4686

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4686

gcccaagtcg gccaatacgc cagccccgca cag 33

<210> 4687

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4687

gcccaagtcg ccgaaaccgg cagaaccgca cag 33

<210> 4688

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4688

gcccaaatga gcgccggcag caacagcgca cag 33

<210> 4689

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4689

gcccaactca gccccaaaaa cgcccaagca cag 33

<210> 4690

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4690

gcccaaagcg gcaccagcca actccccgca cag 33

<210> 4691

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4691

gcccaaagac tccaagacaa accccaagca cag 33

<210> 4692

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4692

gcccaaaacg tccccagaag cagcgtcgca cag 33

<210> 4693

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4693

gcccaagccc tcggcagccc cagacccgca cag 33

<210> 4694

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4694

gcccaagcga aggagcctat gagtgcggca cag 33

<210> 4695

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4695

gcccaagccg tcagcggcgc cgcccacgca cag 33

<210> 4696

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4696

gcccaataca acaacaaaag cgccgccgca cag 33

<210> 4697

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4697

gcccaacaag tcagcgtcag aaacctcgca cag 33

<210> 4698

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4698

gcccaaaagg gtactcatcc tccggctgca cag 33

<210> 4699

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4699

gcccaacagt atcctaatag taaggttgca cag 33

<210> 4700

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4700

gcccaacata atgcttcgaa ttctggggca cag 33

<210> 4701

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4701

gcccaagaac tcaaccccaa attcatcgca cag 33

<210> 4702

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4702

gcccaatcgc gtgagactcc tgggactgca cag 33

<210> 4703

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4703

gcccaaaatt ttaagccgca gaatgaggca cag 33

<210> 4704

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4704

gcccaagcta tgacttcggg gtcggcggca cag 33

<210> 4705

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4705

gcccaaaagg atccgaggag tacgttggca cag 33

<210> 4706

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4706

gcccaagaca gaggcaccag aaccgtcgca cag 33

<210> 4707

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4707

gcccaaagcc tcgccagaaa caacgtcgca cag 33

<210> 4708

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4708

gcccaagcca tcagattcaa cgaacccgca cag 33

<210> 4709

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4709

gcccaacaac accacatcgc cacccccgca cag 33

<210> 4710

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4710

gcccaacaga ttttgaggga gccggtggca cag 33

<210> 4711

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4711

gcccaaactg ttgttaataa gcttagtgca cag 33

<210> 4712

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4712

gcccaaagag acaacaccac caaattcgca cag 33

<210> 4713

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4713

gcccaaagcc tcctcagcac cctcggcgca cag 33

<210> 4714

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4714

gcccaaggcc aagtccccgt caccagagca cag 33

<210> 4715

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4715

gcccaaatcc aaaacagcct catgcccgca cag 33

<210> 4716

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4716

gcccaacagc ataatacgca gaatactgca cag 33

<210> 4717

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4717

gcccaagtcg gccccaccat gacccacgca cag 33

<210> 4718

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4718

gcccaaacca acgtcaccat ggccagagca cag 33

<210> 4719

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4719

gcccaaagcg cccacttcac cggcaccgca cag 33

<210> 4720

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4720

gcccaaagat acagcgtcaa cgacaaagca cag 33

<210> 4721

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4721

gcccaagtct acaaaagcgc cgaccccgca cag 33

<210> 4722

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4722

gcccaagtcc acaccgccct ccccatggca cag 33

<210> 4723

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4723

gcccaaacta ttagtagtgc tggtattgca cag 33

<210> 4724

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4724

gcccaaaggt tgccttcgac tcaggcggca cag 33

<210> 4725

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4725

gcccaaagcc aagaaagagc catgagcgca cag 33

<210> 4726

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4726

gcccaaatga atcagcttgc gaatcctgca cag 33

<210> 4727

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4727

gcccaatttg gggcgactag tgggcaggca cag 33

<210> 4728

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4728

gcccaaacgc ttcttcgttc tcctgctgca cag 33

<210> 4729

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4729

gcccaactta ggtcgaatgt gtcgaatgca cag 33

<210> 4730

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4730

gcccaaatcg ccaacagcca agccgccgca cag 33

<210> 4731

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4731

gcccaatcta atcgtattgt gcctgttgca cag 33

<210> 4732

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4732

gcccaatctc cgaatccttc taatgcggca cag 33

<210> 4733

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4733

gcccaaaaat gggacagcgc caacgaagca cag 33

<210> 4734

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4734

gcccaagctt ctcgtcaggg tgaggctgca cag 33

<210> 4735

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4735

gcccaagttc ctgggaatag tcctcatgca cag 33

<210> 4736

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4736

gcccaaagcg ccaccaccaa cagcgtcgca cag 33

<210> 4737

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4737

gcccaacaca tcggcgccag acaagtcgca cag 33

<210> 4738

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4738

gcccaactta cggatcgttc tcctatggca cag 33

<210> 4739

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4739

gcccaaaatc cgacgcaggc tgttttggca cag 33

<210> 4740

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4740

gcccaaacca aaaacgaaac cggcaccgca cag 33

<210> 4741

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4741

gcccaactca ccgccaccct caccagcgca cag 33

<210> 4742

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4742

gcccaatata aggctagtta tgctgcggca cag 33

<210> 4743

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4743

gcccaaactc ttcctgataa ggtgtcggca cag 33

<210> 4744

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4744

gcccaaaata atcatattcc tttggctgca cag 33

<210> 4745

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4745

gcccaatcta atctgacgtc taatcctgca cag 33

<210> 4746

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4746

gcccaacaac aaaacgacag aaacgccgca cag 33

<210> 4747

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4747

gcccaaatgc tcagcaccaa cagaagcgca cag 33

<210> 4748

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4748

gcccaaatca ccagcgccac cctcagcgca cag 33

<210> 4749

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4749

gcccaagtcg acgccatgca aagacccgca cag 33

<210> 4750

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4750

gcccaaagag aagccaacta cgccagcgca cag 33

<210> 4751

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4751

gcccaacgta gtaataatgc tgatctggca cag 33

<210> 4752

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4752

gcccaaggcc tcgacaaaat gggcagcgca cag 33

<210> 4753

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4753

gcccaattca ccaccagcca cgcccccgca cag 33

<210> 4754

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4754

gcccaagaca aaagcgtcaa attcgccgca cag 33

<210> 4755

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4755

gcccaacacg ccaaaaaaga actccaagca cag 33

<210> 4756

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4756

gcccaagtcg aaagcaaagg cgccagcgca cag 33

<210> 4757

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4757

gcccaaaaaa ccgcccccag catgggcgca cag 33

<210> 4758

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4758

gcccaaggcc tcagaaccga caacagagca cag 33

<210> 4759

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4759

gcccaacgta ttgcggggaa taatcctgca cag 33

<210> 4760

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4760

gcccaaaaag acccccacca agtcgtcgca cag 33

<210> 4761

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4761

gcccaagagc agactccgca taattcggca cag 33

<210> 4762

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4762

gcccaagggc tggataaggg gaattgggca cag 33

<210> 4763

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4763

gcccaacctt cgaatgggaa ttattcggca cag 33

<210> 4764

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4764

gcccaaggca gacccggcat cggcagcgca cag 33

<210> 4765

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4765

gcccaaagga cgtctcctgg ggtgtcggca cag 33

<210> 4766

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4766

gcccaagtca acgccagcct catcagcgca cag 33

<210> 4767

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4767

gcccaaaaaa ccagcaccaa cctccaagca cag 33

<210> 4768

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4768

gcccaaatgg atatgaagca gaatatggca cag 33

<210> 4769

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4769

gcccaagatc ttaatgggat taatgttgca cag 33

<210> 4770

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4770

gcccaacgta cgcctccgag ttttgaggca cag 33

<210> 4771

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4771

gcccaagact tccacgacag aaaaggcgca cag 33

<210> 4772

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4772

gcccaactcc acacccaaac ccaaaccgca cag 33

<210> 4773

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4773

gcccaactcg gcgccagcaa caacgccgca cag 33

<210> 4774

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4774

gcccaaatcg ccagcgtccc cagagacgca cag 33

<210> 4775

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4775

gcccaaaaag ccaaagacgt cggcgacgca cag 33

<210> 4776

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4776

gcccaaagcg ccttcgccgc caaacaagca cag 33

<210> 4777

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4777

gcccaagtct accaaggcca acacctcgca cag 33

<210> 4778

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4778

gcccaatacc tccccgccgc cagcagcgca cag 33

<210> 4779

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4779

gcccaaagcc ccagcaccgt catcagcgca cag 33

<210> 4780

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4780

gcccaaggca ccaacaaacc ccccgacgca cag 33

<210> 4781

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4781

gcccaagaaa gcaccggcgc catcagagca cag 33

<210> 4782

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4782

gcccaactca tgaacaccac catcgccgca cag 33

<210> 4783

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4783

gcccaaatgg cgggtgttgc tcagcctgca cag 33

<210> 4784

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4784

gcccaacggc cggagcttaa gcgtgaggca cag 33

<210> 4785

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4785

gcccaaaaag cccaagacac ccccaccgca cag 33

<210> 4786

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4786

gcccaaagca ccaaccacag caccagcgca cag 33

<210> 4787

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4787

gcccaattcc ccagaaccac caccgacgca cag 33

<210> 4788

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4788

gcccaatcgc gtgctcataa tttggatgca cag 33

<210> 4789

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4789

gcccaacgta ctattcagga ggggattgca cag 33

<210> 4790

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4790

gcccaaggcg gcaaaagctt cgcccaagca cag 33

<210> 4791

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4791

gcccaaggca gacccagcag cacccaagca cag 33

<210> 4792

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4792

gcccaaaacc ccctcaacac cagcaccgca cag 33

<210> 4793

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4793

gcccaagaaa acctcagcaa cggcagagca cag 33

<210> 4794

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4794

gcccaagaga atactattcg gatgagtgca cag 33

<210> 4795

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4795

gcccaacccc ccagaagcat gcccatggca cag 33

<210> 4796

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4796

gcccaactcc tcagcagcaa cctccccgca cag 33

<210> 4797

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4797

gcccaaagag tccaaagcct caacgaagca cag 33

<210> 4798

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4798

gcccaaccga ggagggcgca ggatgatgca cag 33

<210> 4799

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4799

gcccaacaag gcaacgtcaa cgtcggcgca cag 33

<210> 4800

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4800

gcccaaagcg gcgaaaccct cagaggcgca cag 33

<210> 4801

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4801

gcccaacacg tcagccacaa caccgacgca cag 33

<210> 4802

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4802

gcccaatttg gtgggggtc gctggttgca cag 33

<210> 4803

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4803

gcccaaccca gcctcagaag cgaaggcgca cag 33

<210> 4804

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4804

gcccaagtgc gtagtgagaa tggtgtggca cag 33

<210> 4805

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4805

gcccaaaccc tcaaagtcac cggcgacgca cag 33

<210> 4806

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4806

gcccaagtcc ccaaagtcta cctcgacgca cag 33

<210> 4807

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4807

gcccaaacta gtatgcggaa tacggaggca cag 33

<210> 4808

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4808

gcccaaggct acagccacgg cagcatggca cag 33

<210> 4809

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4809

gcccaagcca ccttccccga aaaacaagca cag 33

<210> 4810

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4810

gcccaaaccg gccccaccca cggcaccgca cag 33

<210> 4811

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4811

gcccaaacca acgacagaca cgcccccgca cag 33

<210> 4812

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4812

gcccaaagac acctcgccag cgtcgacgca cag 33

<210> 4813

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4813

gcccaaaata tgattcagcc tagtaatgca cag 33

<210> 4814

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4814

gcccaaaacc tcagcggcag ccccgccgca cag 33

<210> 4815

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4815

gcccaacaaa ccgtcggccc cctccccgca cag 33

<210> 4816

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4816

gcccaagtcg gccacctcag cagagacgca cag 33

<210> 4817

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4817

gcccaacaaa acttcaacgc cggccacgca cag 33

<210> 4818

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4818

gcccaactca ccggcgccgc cagagtcgca cag 33

<210> 4819

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4819

gcccaaggga ctcgtccgac tgcgacggca cag 33

<210> 4820

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4820

gcccaaatgc ccctcagcgt cgcccccgca cag 33

<210> 4821

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4821

gcccaagaca gagtccaaca attcagcgca cag 33

<210> 4822

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4822

gcccaaaaca acgacaccag caccaaagca cag 33

<210> 4823

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4823

gcccaacctt cgaagaatac tcatattgca cag 33

<210> 4824

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4824

gcccaacctt ttaaggctga tgttacggca cag 33

<210> 4825

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4825

gcccaaccta agactcctac ttatgtggca cag 33

<210> 4826

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4826

gcccaactca ccaacatgac cacccccgca cag 33

<210> 4827

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4827

gcccaaggta gtaaggtgca tctttctgca cag 33

<210> 4828

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4828

gcccaatcta ttccgggtta taataatgca cag 33

<210> 4829

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4829

gcccaaatga aaaccgccga aagctacgca cag 33

<210> 4830

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4830

gcccaaaacg gcgacagact cctcaacgca cag 33

<210> 4831

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4831

gcccaaggca ccacccacac cagcctcgca cag 33

<210> 4832

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4832

gcccaactcg gccccagcac ccaaagcgca cag 33

<210> 4833

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4833

gcccaaatga acgccctcac cgacaaagca cag 33

<210> 4834

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4834

gcccaaagca gcaaagaaat cagcctcgca cag 33

<210> 4835

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4835

gcccaactcg acaacggcac caccagagca cag 33

<210> 4836

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4836

gcccaacgtg tgaattttaa ttcggatgca cag 33

<210> 4837

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4837

gcccaaaaca tgcaagccat cagcaacgca cag 33

<210> 4838

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4838

gcccaaaaca ccaaccccag aagcatcgca cag 33

<210> 4839

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4839

gcccaaaaaa tcaacagcaa cagccccgca cag 33

<210> 4840

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4840

gcccaagtcc ccctcggcaa agccagcgca cag 33

<210> 4841

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4841

gcccaacggc tgaatcataa ttcgcctgca cag 33

<210> 4842

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4842

gcccaacaac tcaacaccgt cctccccgca cag 33

<210> 4843

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4843

gcccaagaca gcttcggcaa aagcctcgca cag 33

<210> 4844

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4844

gcccaaaagc cgcctaagtt ggttgatgca cag 33

<210> 4845

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4845

gcccaacaaa tcaccgtcgg caaacccgca cag 33

<210> 4846

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4846

gcccaacaac acccccacgg ccaacaagca cag 33

<210> 4847

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4847

gcccaaactt cgactaatat ggcggctgca cag 33

<210> 4848

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4848

gcccaacaag gcggcctcgc cgtcgtcgca cag 33

<210> 4849

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4849

gcccaaggga ggggtagtct tccgtttgca cag 33

<210> 4850

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4850

gcccaaagcg gcaaacccgc cagcgaagca cag 33

<210> 4851

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4851

gcccaacggt ctgttagtgt gaattctgca cag 33

<210> 4852

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4852

gcccaagaca gaggcggcgt cgtcgccgca cag 33

<210> 4853

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4853

gcccaaggtc gtgagactgg tttttcggca cag 33

<210> 4854

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4854

gcccaacaga ttgttccgtc gaatccggca cag 33

<210> 4855

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4855

gcccaaacga cgttgggtca tagttattca cag 33

<210> 4856

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4856

gcccaaagca gagaattcca actcgccgca cag 33

<210> 4857

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4857

gcccaaggca gagaccacaa catcggcgca cag 33

<210> 4858

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4858

gcccaatcga ataattctcg gccgaatgca cag 33

<210> 4859

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4859

gcccaaaaaa accaaagcag cgacctcgca cag 33

<210> 4860

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4860

gcccaaccca acgacagagc ccacggcgca cag 33

<210> 4861

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4861

gcccaagctc tgactaggac tcagtctgca cag 33

<210> 4862

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4862

gcccaaatga gacccccag cgacaaagca cag 33

<210> 4863

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4863

gcccaaacga attcgactac gaagtcggca cag 33

<210> 4864

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4864

gcccaaggca gacacggcat gaccgccgca cag 33

<210> 4865

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4865

gcccaagtca gccacatcag ccccgccgca cag 33

<210> 4866

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4866

gcccaaaagg ttactagtaa tagttcggca cag 33

<210> 4867

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4867

gcccaaatgt acggccccgg cgccagcgca cag 33

<210> 4868

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4868

gcccaagtcc tcagaagcaa cacccccgca cag 33

<210> 4869

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4869

gcccaaaata gtagttctag taataaggca cag 33

<210> 4870

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4870

gcccaaagca ccgaaaaaag caccagcgca cag 33

<210> 4871

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4871

gcccaaaaca ccaacggcaa caaaggcgca cag 33

<210> 4872

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4872

gcccaaatta cgactaatct gggggcggca cag 33

<210> 4873

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4873

gcccaaatcc aaaaacccca aagcagcgca cag 33

<210> 4874

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4874

gcccaagtga gggatgcggc ttatacggca cag 33

<210> 4875

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4875

gcccaagcca gaagcagcac cggcgccgca cag 33

<210> 4876

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4876

gcccaaacgt ctgttcataa taaggttgca cag 33

<210> 4877

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4877

gcccaaacta tttcgactca tggtactgca cag 33

<210> 4878

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4878

gcccaaaccg tcaccaacat caacttcgca cag 33

<210> 4879

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4879

gcccaaagca tcaacagcaa ccacatcgca cag 33

<210> 4880

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4880

gcccaacaaa aagccggcta cagcaacgca cag 33

<210> 4881

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4881

gcccaagcca gagacaccgt cagaaccgca cag 33

<210> 4882

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4882

gcccaatata aggatcagac gaaggttgca cag 33

<210> 4883

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4883

gcccaaaaca tcggcctcaa ccccatggca cag 33

<210> 4884

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4884

gcccaaggca gcaccaacat gatctacgca cag 33

<210> 4885

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4885

gcccaaatcg acgccaaagg cctcaaagca cag 33

<210> 4886

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4886

gcccaagtcg tcagccacaa cctcaccgca cag 33

<210> 4887

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4887

gcccaaactg tgtctctgaa gactgcggca cag 33

<210> 4888

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4888

gcccaataca gcggcagcaa ctaccacgca cag 33

<210> 4889

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4889

gcccaaccga gtgatgctac gatgggggca cag 33

<210> 4890

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4890

gcccaatggg gggagactac gaatggtgca cag 33

<210> 4891

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4891

gcccaaaatt atcataagac gatgccggca cag 33

<210> 4892

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4892

gcccaagcca gacacgaact ccccgtcgca cag 33

<210> 4893

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4893

gcccaacaca acctcaccag aaacctcgca cag 33

<210> 4894

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4894

gcccaaggtc cgcagattgg tacggtggca cag 33

<210> 4895

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4895

gcccaaatga gagccgacag caacgtcgca cag 33

<210> 4896

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4896

gcccaagtcg ccaacggccc caccaccgca cag 33

<210> 4897

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4897

gcccaaacca aaaacctcaa cacctacgca cag 33

<210> 4898

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4898

gcccaagaca gactcggcgc cagaagcgca cag 33

<210> 4899

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4899

gcccaaaaca tcggcagcgg ccaaaaagca cag 33

<210> 4900

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4900

gcccaaggta gggagatgac gaatccggca cag 33

<210> 4901

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4901

gcccaaatta tggctgctgc gcattcggca cag 33

<210> 4902

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4902

gcccaaagcg accaaagaat ccaccccgca cag 33

<210> 4903

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4903

gcccaagttt ctggtcagac gaatatggca cag 33

<210> 4904

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4904

gcccaataca gcctcggcag cgaacccgca cag 33

<210> 4905

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4905

gcccaatcta cgctgaaggc tctgacggca cag 33

<210> 4906

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4906

gcccaaagcg ccctcatccc cagccccgca cag 33

<210> 4907

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4907

gcccaaacca gccaagccgg caaccaagca cag 33

<210> 4908

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4908

gcccaaaaac acgccagcct ccccatcgca cag 33

<210> 4909

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4909

gcccaactcg accaactcac caaaaacgca cag 33

<210> 4910

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4910

gcccaaatgg ccagaagcac cgacagagca cag 33

<210> 4911

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4911

gcccaaagtt ataatcatat tgagaaggca cag 33

<210> 4912

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4912

gcccaagtca accacatcca acccatggca cag 33

<210> 4913

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4913

gcccaaagca gagccgaacc caaactcgca cag 33

<210> 4914

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4914

gcccaagcca gccacatcgg caacagcgca cag 33

<210> 4915

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4915

gcccaacatc agggttttgc gagtgctgca cag 33

<210> 4916

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4916

gcccaagagg gtaagtctat tatgccggca cag 33

<210> 4917

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4917

gcccaactca ccggcatgca cagcaccgca cag 33

<210> 4918

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4918

gcccaaagta atcctagtac tattcatgca cag 33

<210> 4919

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4919

gcccaaagca gagaccaacc caccagcgca cag 33

<210> 4920

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4920

gcccaaaaaa ccgccgaacc ctacaccgca cag 33

<210> 4921

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4921

gcccaaattg gttctaatcc tgataaggca cag 33

<210> 4922

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4922

gcccaactcg ccagcacctt cagccccgca cag 33

<210> 4923

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4923

gcccaacttg ttaggcttaa tacttctgca cag 33

<210> 4924

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4924

gcccaatttc aggatctgcg tgcgcaagca cag 33

<210> 4925

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4925

gcccaaatca gccacagccc ccaaaccgca cag 33

<210> 4926

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4926

gcccaattcc aagacggcca aagagaagca cag 33

<210> 4927

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4927

gcccaagaca ccagagaagc cttcagagca cag 33

<210> 4928

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4928

gcccaattgg ttgctgatgc gcgtcctgca cag 33

<210> 4929

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4929

gcccaaagct tcagcagcgg cgccggcgca cag 33

<210> 4930

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4930

gcccaagatg tgttgactgg gaagagtgca cag 33

<210> 4931

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4931

gcccaaaaga tggtgttgaa taatgctgca cag 33

<210> 4932

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4932

gcccaacgga agattgatac gatgtctgca cag 33

<210> 4933

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4933

gcccaaatgt ctcaggtgat tactggggca cag 33

<210> 4934

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4934

gcccaaacgt atgatacgcg gaatactgca cag 33

<210> 4935

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4935

gcccaatata gggatggttc gggtagtgca cag 33

<210> 4936

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4936

gcccaaggga atattagtcc tgcgggggca cag 33

<210> 4937

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4937

gcccaaaaag ccggcctcgg cctcagcgca cag 33

<210> 4938

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4938

gcccaacgtc atgtggagaa ggatactgca cag 33

<210> 4939

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4939

gcccaaaaag aagtcagagc caacgccgca cag 33

<210> 4940

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4940

gcccaagaga gtaagcctct tcctgcggca cag 33

<210> 4941

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4941

gcccaaacgt tgagtcataa tagtatggca cag 33

<210> 4942

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4942

gcccaagtcg gcagctacac cgtcagcgca cag 33

<210> 4943

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4943

gcccaacaaa gcgccaccag cctcaccgca cag 33

<210> 4944

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4944

gcccaacacg ccaacggcct cagagacgca cag 33

<210> 4945

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4945

gcccaaagaa tgagccacga cagccccgca cag 33

<210> 4946

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4946

gcccaaaagc atagtggtct tgagtctgca cag 33

<210> 4947

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4947

gcccaaaaac tcagcaccgc catcgaagca cag 33

<210> 4948

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4948

gcccaaaaca gcaaacaact cctcctcgca cag 33

<210> 4949

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4949

gcccaatcgc ttcataataa tcgtgtggca cag 33

<210> 4950

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4950

gcccaaagcg ccgacagaag catcaccgca cag 33

<210> 4951

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4951

gcccaaccca ccggcagacc ccaagaagca cag 33

<210> 4952

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4952

gcccaaaaga ctgttcagga gcctttggca cag 33

<210> 4953

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4953

gcccaaagca ccaaagccct cagcaacgca cag 33

<210> 4954

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4954

gcccaaagca accaaagcac cagaagcgca cag 33

<210> 4955

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4955

gcccaaggtg ttgaggggag ttcgcgggca cag 33

<210> 4956

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4956

gcccaactcc accaaggccc cagcagcgca cag 33

<210> 4957

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4957

gcccaagtcg acagcagaaa cgtcgtcgca cag 33

<210> 4958

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4958

gcccaacttg ggaagcagac ggctttggca cag 33

<210> 4959

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4959

gcccaaagcg gcaacagaac caacatggca cag 33

<210> 4960

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4960

gcccaagtca aaggctacgc cagcaccgca cag 33

<210> 4961

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4961

gcccaagctt ctgttagttc gtcgagtgca cag 33

<210> 4962

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4962

gcccaactcc aactcaaaag cggcatggca cag 33

<210> 4963

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4963

gcccaagata tgcgtgcgtc tgggagtgca cag 33

<210> 4964

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4964

gcccaattga ctgctacgct gccttatgca cag 33

<210> 4965

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4965

gcccaaagta atgctcctaa ttcgtatgca cag 33

<210> 4966

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4966

gcccaaaaag tcgaaagcag cagagccgca cag 33

<210> 4967

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4967

gcccaatgga gcaacagcac caccgtcgca cag 33

<210> 4968

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4968

gcccaatctc ttattcatac gcgtcctgca cag 33

<210> 4969

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4969

gcccaaacgc tttctagtcc tcataatgca cag 33

<210> 4970

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4970

gcccaagtgc ctaggtttaa tggtaatgca cag 33

<210> 4971

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4971

gcccaattca accacagcgg cagcggcgca cag 33

<210> 4972

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4972

gcccaatggg tcgacaccaa cagcaaagca cag 33

<210> 4973

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4973

gcccaacatt cggatggttc taggcttgca cag 33

<210> 4974

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4974

gcccaaaggc aggcggttca gacttctgca cag 33

<210> 4975

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4975

gcccaaatgc acagcggcat ccccaccgca cag 33

<210> 4976

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4976

gcccaagtga aggatcaggg gcgttctgca cag 33

<210> 4977

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4977

gcccaaagac ccaccctcag caaccaagca cag 33

<210> 4978

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4978

gcccaagtca gcaaaagcgc cgccctcgca cag 33

<210> 4979

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4979

gcccaaaagg atagtcatct gtcgtcggca cag 33

<210> 4980

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4980

gcccaagtcg gcgtcagaat gaccggcgca cag 33

<210> 4981

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4981

gcccaagctg atcggctttt gaattcggca cag 33

<210> 4982

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4982

gcccaaggca gcgaactcag aaccggcgca cag 33

<210> 4983

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4983

gcccaaatga aactcagcac cagcagcgca cag 33

<210> 4984

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4984

gcccaacaag cctacaacat cgtccccgca cag 33

<210> 4985

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4985

gcccaagtcg gcggcaacat cagaaccgca cag 33

<210> 4986

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4986

gcccaaagtt atcagcagac gttgggggca cag 33

<210> 4987

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4987

gcccaaatga gacccacccc caccgacgca cag 33

<210> 4988

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4988

gcccaaagga aggcgaatga tctgaatgca cag 33

<210> 4989

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4989

gcccaaatca gcggcaccgc cagcaccgca cag 33

<210> 4990

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4990

gcccaatacg tccaactcaa caacgccgca cag 33

<210> 4991

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4991

gcccaaaccg aaaaaggctg gggccccgca cag 33

<210> 4992

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4992

gcccaatctc cgcagaggca taatagtgca cag 33

<210> 4993

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4993

gcccaataca cccacatgac cgaaagagca cag 33

<210> 4994

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4994

gcccaagatc ggtctatgca gcaggctgca cag 33

<210> 4995

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4995

gcccaagaca ccatgaacgc catgagagca cag 33

<210> 4996

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4996

gcccaactca aacccggcca catggtcgca cag 33

<210> 4997

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4997

gcccaacaat tcaacagcaa agacaccgca cag 33

<210> 4998

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4998

gcccaatgga ccaacagcag acccatggca cag 33

<210> 4999

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 4999

gcccaattgc tgacgacttc ttctgaggca cag 33

<210> 5000

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5000

gcccaacagc gtgcttcttc tggttctgca cag 33

<210> 5001

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5001

gcccaaccca aagaaagcaa caacatggca cag 33

<210> 5002

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5002

gcccaagcca aacacgtcgc caccgaagca cag 33

<210> 5003

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5003

gcccaaactc agtcgagtac gtattcggca cag 33

<210> 5004

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5004

gcccaaccca gaaccagcac caacatcgca cag 33

<210> 5005

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5005

gcccaaagac tcgccagcaa cagcgacgca cag 33

<210> 5006

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5006

gcccaaggcc ccctccaaac caacgccgca cag 33

<210> 5007

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5007

gcccaaaaag tcagcgccat gagcgacgca cag 33

<210> 5008

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5008

gcccaagctg ggaagtatgt taattctgca cag 33

<210> 5009

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5009

gcccaaccca aaagcggcag ccccagcgca cag 33

<210> 5010

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5010

gcccaattta tttctaatgg gagttcggca cag 33

<210> 5011

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5011

gcccaaaatc tgaatgcgat gcataaggca cag 33

<210> 5012

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5012

gcccaagagt cgcatgcgcg ggaggggggca cag 33

<210> 5013

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5013

gcccaaactg tggttggggt taggggtgca cag 33

<210> 5014

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5014

gcccaagcca aagccaccgt ccccagcgca cag 33

<210> 5015

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5015

gcccaaacca aaaccgtcaa catgaccgca cag 33

<210> 5016

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5016

gcccaacaaa gcagcctcaa actcaccgca cag 33

<210> 5017

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5017

gcccaaaacg cccaaagaac cggccccgca cag 33

<210> 5018

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5018

gcccaaaaca gaagagacgc cacccccgca cag 33

<210> 5019

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5019

gcccaaggca accaaaacac cctcctcgca cag 33

<210> 5020

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5020

gcccaaacca gagtcagcgg cagcgccgca cag 33

<210> 5021

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5021

gcccaagtta cgacggcgat gatgtcggca cag 33

<210> 5022

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5022

gcccaagaca gaacccccat cgcccacgca cag 33

<210> 5023

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5023

gcccaactcc ccctcaacag cagacccgca cag 33

<210> 5024

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5024

gcccaaccgc aggcttcgca ggctaatgca cag 33

<210> 5025

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5025

gcccaaacgg cgaggaatgt tcctaatgca cag 33

<210> 5026

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5026

gcccaactca acggcatcct cagccaagca cag 33

<210> 5027

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5027

gcccaactgc aggataagac tcttaatgca cag 33

<210> 5028

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5028

gcccaatatc ggggtgagaa taatcctgca cag 33

<210> 5029

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5029

gcccaagtca acaaacaact caacagcgca cag 33

<210> 5030

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5030

gcccaagtcc tcaaagacga cggccacgca cag 33

<210> 5031

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5031

gcccaaactc ggggggaggt ttcgctggca cag 33

<210> 5032

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5032

gcccaagagt ttcagaggat gcatccggca cag 33

<210> 5033

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5033

gcccaaatca gccccatgag caccagcgca cag 33

<210> 5034

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5034

gcccaactcg gccacgacca cgccaccgca cag 33

<210> 5035

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5035

gcccaactca gccccggccc ccaacaagca cag 33

<210> 5036

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5036

gcccaaaagt ttaggggga ggagcctgca cag 33

<210> 5037

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5037

gcccaacagg gttctcgtct ggcttcggca cag 33

<210> 5038

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5038

gcccaatggg agcgttctca gttgtctgca cag 33

<210> 5039

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5039

gcccaacagc agaaggcggc taatggggca cag 33

<210> 5040

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5040

gcccaatata cgctgagtct gagtagtgca cag 33

<210> 5041

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5041

gcccaaggcc tcatccccaa caacagcgca cag 33

<210> 5042

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5042

gcccaaagcg tccccgtcag cagaaccgca cag 33

<210> 5043

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5043

gcccaaaata agcagcagtc tcagacggca cag 33

<210> 5044

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5044

gcccaaagca aacacagcgt ccaagtcgca cag 33

<210> 5045

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5045

gcccaaaatc gtccttctca gcaggggca cag 33

<210> 5046

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5046

gcccaacaag aatacagaaa caccctcgca cag 33

<210> 5047

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5047

gcccaattcg aaagagacag aatgggcgca cag 33

<210> 5048

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5048

gcccaaagca ccagcagcaa cctcagcgca cag 33

<210> 5049

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5049

gcccaaagaa gcctcgaagg catcgtcgca cag 33

<210> 5050

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5050

gcccaaggca acagcagact cgaccccgca cag 33

<210> 5051

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5051

gcccaaatcg acaccatcgg caaagccgca cag 33

<210> 5052

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5052

gcccaactgg atcatacgag tcgtgcggca cag 33

<210> 5053

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5053

gcccaatggg gccaaaccaa cagcagcgca cag 33

<210> 5054

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5054

gcccaagcgc ggggtaatct gtcgagtgca cag 33

<210> 5055

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5055

gcccaagaca acatgaaact ccacgtcgca cag 33

<210> 5056

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5056

gcccaagaaa aaacccaaca aagctacgca cag 33

<210> 5057

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5057

gcccaatcga atggtttggc gcggaatgca cag 33

<210> 5058

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5058

gcccaagtcg tcagccacag acccgccgca cag 33

<210> 5059

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5059

gcccaaagtt tgggtgttag tcggaatgca cag 33

<210> 5060

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5060

gcccaagacc acagccacgg cagagacgca cag 33

<210> 5061

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5061

gcccaatcga ctcatcaggt ggcgaatgca cag 33

<210> 5062

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5062

gcccaaaatc agagtgcgag tagtcgggca cag 33

<210> 5063

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5063

gcccaagtca ccgtcggcag ccacatggca cag 33

<210> 5064

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5064

gcccaaagca gcaacatcgc ccaaaacgca cag 33

<210> 5065

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5065

gcccaattga atgagatggc tactcctgca cag 33

<210> 5066

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5066

gcccaaagca ccaaaatcga aagagacgca cag 33

<210> 5067

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5067

gcccaaaacc tcgtcgacgc cagaatcgca cag 33

<210> 5068

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5068

gcccaataca gcaccggcaa agacgccgca cag 33

<210> 5069

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5069

gcccaaaccc aaggcatcgt caccagcgca cag 33

<210> 5070

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5070

gcccaatctt ttggggctac gagtttggca cag 33

<210> 5071

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5071

gcccaaactg cggggatgtc ttcgcgggca cag 33

<210> 5072

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5072

gcccaaagag acaacagcct catccccgca cag 33

<210> 5073

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5073

gcccaaaaga ctaatgctga ttatggggca cag 33

<210> 5074

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5074

gcccaagtca acccccacag aaccatggca cag 33

<210> 5075

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5075

gcccaagata ttcgtgggag gcctactgca cag 33

<210> 5076

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5076

gcccaacgtg aggtttcgag tacttctgca cag 33

<210> 5077

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5077

gcccaagtca gccaaggcac cagagtcgca cag 33

<210> 5078

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5078

gcccaaaaga cgcctattat gcatgcggca cag 33

<210> 5079

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5079

gcccaactgg agtcgcggga tacggttgca cag 33

<210> 5080

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5080

gcccaagtcc tcaacagcag catgaccgca cag 33

<210> 5081

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5081

gcccaatttc ggactgtgac gcaggcggca cag 33

<210> 5082

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5082

gcccaaaccg gcgccatgaa catgaccgca cag 33

<210> 5083

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5083

gcccaattga agactcagaa ttattctgca cag 33

<210> 5084

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5084

gcccaacaga agacgatgtt gactgctgca cag 33

<210> 5085

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5085

gcccaaagta atattattgg ttcggatgca cag 33

<210> 5086

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5086

gcccaatcgg tgtcggtttc gaagatggca cag 33

<210> 5087

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5087

gcccaagcgg cgcaggtttc gcatgctgca cag 33

<210> 5088

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5088

gcccaaatta atgtggttga gaaggctgca cag 33

<210> 5089

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5089

gcccaaatgc tcagaggcga cctccccgca cag 33

<210> 5090

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5090

gcccaaaacc tccccaccat gcaacccgca cag 33

<210> 5091

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5091

gcccaattcc aagacaaaat caacagagca cag 33

<210> 5092

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5092

gcccaaagca gacaaaccat cgaaaccgca cag 33

<210> 5093

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5093

gcccaactcc acagcaaact caacggcgca cag 33

<210> 5094

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5094

gcccaaaccc ccagcgccag caacatggca cag 33

<210> 5095

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5095

gcccaagcta atacggctat taggactgca cag 33

<210> 5096

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5096

gcccaaagcc cctacaacca aaacaacgca cag 33

<210> 5097

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5097

gcccaatcgg ggaagcagca gacgactgca cag 33

<210> 5098

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5098

gcccaaaatc ttccggtgca ggggagtgca cag 33

<210> 5099

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5099

gcccaaccca acctcaccac cgaaagagca cag 33

<210> 5100

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5100

gcccaagcta gtcttgttaa tactgctgca cag 33

<210> 5101

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5101

gcccaatcta ctgcggggga tactcgggca cag 33

<210> 5102

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5102

gcccaactca gagacaccag aaccgacgca cag 33

<210> 5103

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5103

gcccaactcc aacaagccca accccaagca cag 33

<210> 5104

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5104

gcccaatatt ctcctcatgt tacgcctgca cag 33

<210> 5105

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5105

gcccaactcc aaatcaaaac cagccccgca cag 33

<210> 5106

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5106

gcccaaaggg tgcctccgaa tctgcaggca cag 33

<210> 5107

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5107

gcccaacttg ctgagcatcc gaagacggca cag 33

<210> 5108

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5108

gcccaaattg cggcgcgtag tccgttggca cag 33

<210> 5109

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5109

gcccaaagtg gtaagcagca tgaggatgca cag 33

<210> 5110

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5110

gcccaaattg ggaatctgca ggcgacggca cag 33

<210> 5111

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5111

gcccaacctg atgcttctca gcgggttgca cag 33

<210> 5112

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5112

gcccaagctg tggataggat gacgcctgca cag 33

<210> 5113

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5113

gcccaatttg ggcgtgagaa gccggctgca cag 33

<210> 5114

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5114

gcccaactta ataataggcc gcagttggca cag 33

<210> 5115

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5115

gcccaaaatt ttcatggtcg gactgatgca cag 33

<210> 5116

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5116

gcccaaggcg tcagactcag cagcaccgca cag 33

<210> 5117

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5117

gcccaaaccg tcaacagcca cagacaagca cag 33

<210> 5118

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5118

gcccaaaata gtaatcatac gcctagggca cag 33

<210> 5119

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5119

gcccaagcca acaccatcac cgtcgtcgca cag 33

<210> 5120

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5120

gcccaagacg tcacccaaag caaacccgca cag 33

<210> 5121

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5121

gcccaaggta atcatgcgcg taatctggca cag 33

<210> 5122

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5122

gcccaacaac acagagacac cagcatggca cag 33

<210> 5123

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5123

gcccaactgc agggtaggct gacgtcggca cag 33

<210> 5124

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5124

gcccaaattt ctatgaggga gcagtcggca cag 33

<210> 5125

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5125

gcccaaacca gaaacttcga ccacaccgca cag 33

<210> 5126

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5126

gcccaagcta gtcatcgggc gcagattgca cag 33

<210> 5127

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5127

gcccaaaatc agcagagtcc tcataaggca cag 33

<210> 5128

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5128

gcccaaaggc cgggggagtc gaatcctgca cag 33

<210> 5129

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5129

gcccaagcgc gtgatagtag tattatggca cag 33

<210> 5130

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5130

gcccaaaccg gcatgagcac ccaagtcgca cag 33

<210> 5131

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5131

gcccaaatgg gtgtgaaggc ggatattgca cag 33

<210> 5132

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5132

gcccaacaat tcaaaggcat cacccaagca cag 33

<210> 5133

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5133

gcccaacaca acaacagccc cacccacgca cag 33

<210> 5134

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5134

gcccaagaca gcaacttcac cagcgccgca cag 33

<210> 5135

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5135

gcccaagcgg ttccgcatat gggtacggca cag 33

<210> 5136

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5136

gcccaagtcg tcagccccaa cctcatggca cag 33

<210> 5137

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5137

gcccaaccct tccccaaaac cctcgacgca cag 33

<210> 5138

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5138

gcccaacaga gtgcgggtct tgcggaggca cag 33

<210> 5139

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5139

gcccaaggca aagcccacga cctcgccgca cag 33

<210> 5140

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5140

gcccaacaaa gaatcagcac caacgccgca cag 33

<210> 5141

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5141

gcccaatggc tcaccaccgg cagcagcgca cag 33

<210> 5142

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5142

gcccaataca gagcccaagg ccccctcgca cag 33

<210> 5143

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5143

gcccaagtga tgaagaggta tgatgaggca cag 33

<210> 5144

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5144

gcccaactcg aatacagcca aagagacgca cag 33

<210> 5145

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5145

gcccaactcc aaaaagtcca cctcggcgca cag 33

<210> 5146

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5146

gcccaacgtt ctcattcgca tccttcggca cag 33

<210> 5147

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5147

gcccaacaca ccttcaccag caccggcgca cag 33

<210> 5148

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5148

gcccaatctg ttggtagtgg tcctggtgca cag 33

<210> 5149

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5149

gcccaacaaa gcttcaacgg cagcaacgca cag 33

<210> 5150

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5150

gcccaagtca ccgccatcag aggcgccgca cag 33

<210> 5151

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5151

gcccaattgg ggaagacgtc ttatagtgca cag 33

<210> 5152

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5152

gcccaaagta cgatggcgat ggcttctgca cag 33

<210> 5153

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5153

gcccaagctt ctggtaggtc ttctgctgca cag 33

<210> 5154

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5154

gcccaaggca gaacccccgc cgtcgaagca cag 33

<210> 5155

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5155

gcccaaggca gaatcgacgt cagcagcgca cag 33

<210> 5156

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5156

gcccaaaccc ccaaagtcaa cagcagcgca cag 33

<210> 5157

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5157

gcccaaagtg ttcggaattc gactactgca cag 33

<210> 5158

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5158

gcccaagtta atggtgctca gcagattgca cag 33

<210> 5159

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5159

gcccaaaaca gagccgaaag cttcagagca cag 33

<210> 5160

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5160

gcccaacacg acagagccag cgtcagagca cag 33

<210> 5161

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5161

gcccaagaca gccccagcag aggcagagca cag 33

<210> 5162

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5162

gcccaaagca acaacatcca cagcaaagca cag 33

<210> 5163

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5163

gcccaaatca acaacatcgt catccccgca cag 33

<210> 5164

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5164

gcccaaattc ggagttctga tgagacggca cag 33

<210> 5165

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5165

gcccaaaaca tgcccagcct cgtcgccgca cag 33

<210> 5166

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5166

gcccaaaata ggacgctgga gtctattgca cag 33

<210> 5167

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5167

gcccaacccc aacacaacaa ccaacccgca cag 33

<210> 5168

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5168

gcccaactcg gctacaacgc ccaccccgca cag 33

<210> 5169

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5169

gcccaactca aacaccaata cgacggcgca cag 33

<210> 5170

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5170

gcccaacact acagccccac cagagaagca cag 33

<210> 5171

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5171

gcccaaagct acagaagcac cagcgacgca cag 33

<210> 5172

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5172

gcccaagtta cgcctactgc ggctcttgca cag 33

<210> 5173

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5173

gcccaattgg agcagcggta tagttctgca cag 33

<210> 5174

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5174

gcccaaatga ataatattag gcagtctgca cag 33

<210> 5175

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5175

gcccaaagta gtcgtaatga tgcttctgca cag 33

<210> 5176

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5176

gcccaaggca ccgacagaaa acccttcgca cag 33

<210> 5177

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5177

gcccaaagag tcaacaaaga agacagagca cag 33

<210> 5178

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5178

gcccaaaccg gcagaagcct cgccaccgca cag 33

<210> 5179

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5179

gcccaaatga agtcttcgac gtcgaatgca cag 33

<210> 5180

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5180

gcccaaagac acgacctcgc cagcaacgca cag 33

<210> 5181

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5181

gcccaattga tggcggtgtc tactccggca cag 33

<210> 5182

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5182

gcccaaagag aaggcatcta caccctcgca cag 33

<210> 5183

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5183

gcccaagaca acaaaggcag cctcagcgca cag 33

<210> 5184

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5184

gcccaaaaag gccaagtcac ccacggcgca cag 33

<210> 5185

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5185

gcccaaagta agactctgaa taatcttgca cag 33

<210> 5186

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5186

gcccaaagga atccgcaggt tcctactgca cag 33

<210> 5187

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5187

gcccaaagtg cgaatgcgtc taatactgca cag 33

<210> 5188

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5188

gcccaaggct acatgaaacc cgccatcgca cag 33

<210> 5189

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5189

gcccaaagca gccacggccc cacccccgca cag 33

<210> 5190

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5190

gcccaaagca ccagaaaccc cccccaagca cag 33

<210> 5191

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5191

gcccaactca acagaatcaa cgaacaagca cag 33

<210> 5192

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5192

gcccaaggcg ccgccaaaag ccaaaacgca cag 33

<210> 5193

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5193

gcccaactcc ccaccctcca cggccccgca cag 33

<210> 5194

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5194

gcccaagtcc ccagcaccat caaaggcgca cag 33

<210> 5195

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5195

gcccaaacgt cgtctatgcg ggagtcggca cag 33

<210> 5196

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5196

gcccaactca tgagcagcaa caacgccgca cag 33

<210> 5197

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5197

gcccaagcca aaacccaaag cgccaccgca cag 33

<210> 5198

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5198

gcccaaaagg aggggcagtc taggtatgca cag 33

<210> 5199

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5199

gcccaaaaag tcaacagcag cgccaccgca cag 33

<210> 5200

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5200

gcccaaagaa ccaccagcct cgtcgccgca cag 33

<210> 5201

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5201

gcccaaatga ctaatcagag tgcgcatgca cag 33

<210> 5202

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5202

gcccaacccc acatcagagg cgaaaacgca cag 33

<210> 5203

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5203

gcccaaagaa cccaaagcag catcagcgca cag 33

<210> 5204

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5204

gcccaaatgt ttacgacgac gggtgcggca cag 33

<210> 5205

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5205

gcccaaagca acatcaaact catggccgca cag 33

<210> 5206

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5206

gcccaatcga ctcagggtac tcgggatgca cag 33

<210> 5207

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5207

gcccaaattt tgtcggggcg taatggtgca cag 33

<210> 5208

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5208

gcccaagggc tgaaggtgtc tgggtctgca cag 33

<210> 5209

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5209

gcccaaaccg gcgccaacct ccccaacgca cag 33

<210> 5210

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5210

gcccaataca gcctcagcat gcccaacgca cag 33

<210> 5211

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5211

gcccaaactt ttgagaggaa ggctgcggca cag 33

<210> 5212

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5212

gcccaactcg gcagagccag cagcgtcgca cag 33

<210> 5213

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5213

gcccaaagaa ccaaaaccag cgacggcgca cag 33

<210> 5214

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5214

gcccaactca acccccacct cggccccgca cag 33

<210> 5215

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5215

gcccaaatca tgcccaacaa caccatggca cag 33

<210> 5216

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5216

gcccaacata agagtgatag tggttatgca cag 33

<210> 5217

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5217

gcccaagatc ggctgaataa gaatagtgca cag 33

<210> 5218

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5218

gcccaaatga gcggcggcag cagcaaagca cag 33

<210> 5219

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5219

gcccaacagc gtgagcaggg gaatgctgca cag 33

<210> 5220

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5220

gcccaaggtg gtggtaatgt gacgtcggca cag 33

<210> 5221

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5221

gcccaaaatc tgaagaatgc gtatgttgca cag 33

<210> 5222

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5222

gcccaaagca aaaacgacag acccggcgca cag 33

<210> 5223

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5223

gcccaaagag gcagcggcca agacatcgca cag 33

<210> 5224

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5224

gcccaagtcg gcagcaacac cagctacgca cag 33

<210> 5225

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5225

gcccaaagcc ccagaatcgg cagcaccgca cag 33

<210> 5226

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5226

gcccaaggta ctttgaagga gactagtgca cag 33

<210> 5227

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5227

gcccaaagca tccaaagaac cgtcgccgca cag 33

<210> 5228

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5228

gcccaaagag gcgaaagcaa cggcaccgca cag 33

<210> 5229

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5229

gcccaagaac ccagcaacgc cagagtcgca cag 33

<210> 5230

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5230

gcccaaagcc aagccaccat gaacaaagca cag 33

<210> 5231

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5231

gcccaagccc aaggcaccag caccaccgca cag 33

<210> 5232

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5232

gcccaataca tgagcaaaaa caacctcgca cag 33

<210> 5233

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5233

gcccaaaata cgacgaatat gtcgaaggca cag 33

<210> 5234

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5234

gcccaatcga aggcttctaa gactgaggca cag 33

<210> 5235

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5235

gcccaaatgg ctggttctat tgttactgca cag 33

<210> 5236

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5236

gcccaagtga attcgagtca gactcctgca cag 33

<210> 5237

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5237

gcccaaactc gtagtgctct tcttgatgca cag 33

<210> 5238

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5238

gcccaaggga ttagttattc gccttctgca cag 33

<210> 5239

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5239

gcccaacatg ggagggaggt tccgcaggca cag 33

<210> 5240

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5240

gcccaaacca gaagcgccga caacagagca cag 33

<210> 5241

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5241

gcccaatctg ggaattcgtc gcgtggtgca cag 33

<210> 5242

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5242

gcccaaacga cgaaggggaa tccttcggca cag 33

<210> 5243

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5243

gcccaagaca tgagaagcac cagagacgca cag 33

<210> 5244

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5244

gcccaactgg gtaattcgtt gccggctgca cag 33

<210> 5245

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5245

gcccaattga ctagtatgtc gattcctgca cag 33

<210> 5246

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5246

gcccaaggca cccacatcaa acaagccgca cag 33

<210> 5247

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5247

gcccaaactc agggtcgtat tgttagtgca cag 33

<210> 5248

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5248

gcccaactcg gcggcaacaa caccctcgca cag 33

<210> 5249

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5249

gcccaaatgt ctgcgaataa tggtcgtgca cag 33

<210> 5250

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5250

gcccaagtta ctaatccgat gagtgcggca cag 33

<210> 5251

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5251

gcccaagagg cttataagtc tacgtcggca cag 33

<210> 5252

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5252

gcccaaagac ccaacaacca aggccaagca cag 33

<210> 5253

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5253

gcccaaatga attttgcggg tagtggtgca cag 33

<210> 5254

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5254

gcccaaaaga ctaatcatag ttcgtctgca cag 33

<210> 5255

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5255

gcccaaaatg ggtatgggtc gcagacggca cag 33

<210> 5256

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5256

gcccaaaaaa ccggccacca attcaccgca cag 33

<210> 5257

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5257

gcccaaaccg ccagaaccct ccaactcgca cag 33

<210> 5258

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5258

gcccaacaag ccagcaccac ccaaatcgca cag 33

<210> 5259

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5259

gcccaaactg cttttgatac gcgtggtgca cag 33

<210> 5260

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5260

gcccaagtca acagccacgt cgccagagca cag 33

<210> 5261

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5261

gcccaaagtc cgcttcattc taatacggca cag 33

<210> 5262

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5262

gcccaactca gcagagtcac catcaacgca cag 33

<210> 5263

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5263

gcccaaactc agcataatgt ggattcggca cag 33

<210> 5264

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5264

gcccaaacct tccaaaccag caacagcgca cag 33

<210> 5265

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5265

gcccaaagta atcatgttag tgttaatgca cag 33

<210> 5266

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5266

gcccaaatgc tccacagcag catcaccgca cag 33

<210> 5267

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5267

gcccaactga aggctactga tgggtcggca cag 33

<210> 5268

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5268

gcccaactcg gcaacatgca caacatggca cag 33

<210> 5269

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5269

gcccaaatca acagactcat cagcggcgca cag 33

<210> 5270

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5270

gcccaaacca gaagcaacct cgccagcgca cag 33

<210> 5271

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5271

gcccaacatt cgaatggtgt taggggggca cag 33

<210> 5272

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5272

gcccaagccg gcaaccccag agaaaaagca cag 33

<210> 5273

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5273

gcccaaagag ccagagacgt cgacgaagca cag 33

<210> 5274

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5274

gcccaagtca gcaacggccc cagcctcgca cag 33

<210> 5275

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5275

gcccaagcga atcagagggg tgttggggca cag 33

<210> 5276

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5276

gcccaaatga gaagcgaaac cctcaacgca cag 33

<210> 5277

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5277

gcccaaaaac ccagcagcca actcctcgca cag 33

<210> 5278

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5278

gcccaaagcc tcagacccca cgacagagca cag 33

<210> 5279

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5279

gcccaaggtt cgaatgcttc gaagtatgca cag 33

<210> 5280

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5280

gcccaaacca acagagacct cggccccgca cag 33

<210> 5281

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5281

gcccaatggg ggtctactgc gggtgctgca cag 33

<210> 5282

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5282

gcccaaatca gcggcgccga cagaaccgca cag 33

<210> 5283

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5283

gcccaaagcg ccgtcagaag ccccatcgca cag 33

<210> 5284

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5284

gcccaaagag tcagccacac cgaaaccgca cag 33

<210> 5285

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5285

gcccaaaaag ccaacagcca aatcaccgca cag 33

<210> 5286

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5286

gcccaaccga gtgtgtatcg tgagcctgca cag 33

<210> 5287

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5287

gcccaaacca ccaacttcgt caccagcgca cag 33

<210> 5288

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5288

gcccaaaacc tcatgcccac cgacagagca cag 33

<210> 5289

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5289

gcccaaacca accacaccgg cagccaagca cag 33

<210> 5290

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5290

gcccaacact ggaacggcac caaccccgca cag 33

<210> 5291

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5291

gcccaacata agtctattgg tcaggaggca cag 33

<210> 5292

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5292

gcccaaactc ggccgattcc gattagtgca cag 33

<210> 5293

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5293

gcccaaaacc ccggcatgag cagaatggca cag 33

<210> 5294

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5294

gcccaaattg ctaatcgggt gtcgcctgca cag 33

<210> 5295

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5295

gcccaaacgg cgttggcgaa tcagaaggca cag 33

<210> 5296

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5296

gcccaaactt cgctttcttc ttctgctgca cag 33

<210> 5297

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5297

gcccaagctt tgactggtaa tatgtcggca cag 33

<210> 5298

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5298

gcccaaatgc agacgaagaa tgtgccggca cag 33

<210> 5299

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5299

gcccaacagg cgactaagac taatgttgca cag 33

<210> 5300

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5300

gcccaactcc acaccaccag cagcgtcgca cag 33

<210> 5301

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5301

gcccaatacg tccaaagcag cagcaacgca cag 33

<210> 5302

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5302

gcccaaacga tgaagattcg tactgaggca cag 33

<210> 5303

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5303

gcccaaaaga gtcattcgcc tgggtcggca cag 33

<210> 5304

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5304

gcccaaaagg cggtggatcc tccgaatgca cag 33

<210> 5305

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5305

gcccaaaatg ctcctcctat gagtcctgca cag 33

<210> 5306

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5306

gcccaaatca acaaaatgtt caccccgca cag 33

<210> 5307

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5307

gcccaatatg ctaaggcgac tttgggtgca cag 33

<210> 5308

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5308

gcccaacatc ttgcgcgtcc gtctgaggca cag 33

<210> 5309

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5309

gcccaacaac tcaacagcga cagaaacgca cag 33

<210> 5310

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5310

gcccaaatga ggcctgatac tagttatgca cag 33

<210> 5311

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5311

gcccaaggcg tcgccatgag cagcggcgca cag 33

<210> 5312

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5312

gcccaaggtc attctaggcc tgatcgggca cag 33

<210> 5313

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5313

gcccaagtct tccaagccac cagaaccgca cag 33

<210> 5314

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5314

gcccaaactt cgttgacgtc gtatactgca cag 33

<210> 5315

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5315

gcccaaaaac tcaacaccgg cgacatcgca cag 33

<210> 5316

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5316

gcccaaagaa ccaacgaaac catcgtcgca cag 33

<210> 5317

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5317

gcccaaagac tccaaaacag caccccgca cag 33

<210> 5318

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5318

gcccaaacgt cgcggcttac tagtggggca cag 33

<210> 5319

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5319

gcccaaagca acaccacctt cagcgccgca cag 33

<210> 5320

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5320

gcccaagacc aaagaagcag ccccgccgca cag 33

<210> 5321

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5321

gcccaagttg ggagtggtgg gtctcgtgca cag 33

<210> 5322

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5322

gcccaaagaa gcaccaacgc ccccaacgca cag 33

<210> 5323

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5323

gcccaaatgg cgggtcagca gcggttggca cag 33

<210> 5324

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5324

gcccaaatta ggaattctgc tcctcctgca cag 33

<210> 5325

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5325

gcccaactgt cgactaagag ttttaatgca cag 33

<210> 5326

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5326

gcccaatggc cggggtcgat tactgcggca cag 33

<210> 5327

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5327

gcccaaaccg gcggcgtcca cgcccaagca cag 33

<210> 5328

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5328

gcccaatctg agaggtcgtc tatggctgca cag 33

<210> 5329

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5329

gcccaatttc agaatggtcg gaataatgca cag 33

<210> 5330

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5330

gcccaaggcg gcagcagact cccccaagca cag 33

<210> 5331

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5331

gcccaaggcg gcaacagcct cagcgtcgca cag 33

<210> 5332

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5332

gcccaatcga agaagattga tcatggtgca cag 33

<210> 5333

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5333

gcccaatatc gtgatacgtt ggcggctgca cag 33

<210> 5334

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5334

gcccaactcc acagcggcga aagaaacgca cag 33

<210> 5335

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5335

gcccaaatta tgcctcatgg ttcgcctgca cag 33

<210> 5336

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5336

gcccaaaccg ccagaaccct caacatggca cag 33

<210> 5337

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5337

gcccaagcta gtgttcaggg gcatagtgca cag 33

<210> 5338

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5338

gcccaattga ataatgctgg gagggcggca cag 33

<210> 5339

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5339

gcccaaggcc tcagaggcag ccacgccgca cag 33

<210> 5340

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5340

gcccaatttg tgcgtgattc ttattcggca cag 33

<210> 5341

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5341

gcccaaggca gattcaccgg caccgaagca cag 33

<210> 5342

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5342

gcccaacgtc agaatccgat tgagcttgca cag 33

<210> 5343

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5343

gcccaagtca gagacaaatt cggcaccgca cag 33

<210> 5344

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5344

gcccaactcc ccagcaacag caacagagca cag 33

<210> 5345

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5345

gcccaagtca gacaagaaca caccagcgca cag 33

<210> 5346

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5346

gcccaaatca gacaaggccc caccaacgca cag 33

<210> 5347

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5347

gcccaagact acagcaaaag caacaccgca cag 33

<210> 5348

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5348

gcccaaatgt cgaatgttaa tgtttcggca cag 33

<210> 5349

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5349

gcccaaatga gcagcggcag aagcctcgca cag 33

<210> 5350

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5350

gcccaaggcc tcagagacat cagagccgca cag 33

<210> 5351

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5351

gcccaactga tttctgctca taagggtgca cag 33

<210> 5352

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5352

gcccaaccca tcaacaccca cgccgccgca cag 33

<210> 5353

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5353

gcccaaatgc ctcatgtggg gaatgctgca cag 33

<210> 5354

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5354

gcccaatatg gttcttctgc gattaatgca cag 33

<210> 5355

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5355

gcccaacatg cttctatgcc tagttctgca cag 33

<210> 5356

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5356

gcccaatttg gggagaatgc tcgttttgca cag 33

<210> 5357

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5357

gcccaatcta ggcatgattt gccttctgca cag 33

<210> 5358

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5358

gcccaacggt cgcagggtgc gaatatggca cag 33

<210> 5359

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5359

gcccaagcca acagcaacag ccacagcgca cag 33

<210> 5360

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5360

gcccaacagg ctaggcagaa tcagggtgca cag 33

<210> 5361

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5361

gcccaaggtg tggctagtaa tacgacggca cag 33

<210> 5362

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5362

gcccaaaagt atagttcttc tcagagtgca cag 33

<210> 5363

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5363

gcccaaagcg ccaaaaccct caacaccgca cag 33

<210> 5364

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5364

gcccaaggca tcagaaccac caacgccgca cag 33

<210> 5365

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5365

gcccaaatga atacgacgat taatagggca cag 33

<210> 5366

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5366

gcccaactca aaaacaccag cctccccgca cag 33

<210> 5367

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5367

gcccaaacta atcgtgctgc tacgatggca cag 33

<210> 5368

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5368

gcccaacacg gctaccccaa cgtccccgca cag 33

<210> 5369

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5369

gcccaatggg gctacagagg cgccgaagca cag 33

<210> 5370

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5370

gcccaactcc tcgtcaccaa caccagcgca cag 33

<210> 5371

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5371

gcccaaaaga atcgtcttcc tcctgatgca cag 33

<210> 5372

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5372

gcccaatatc gttcgcagga gcatccggca cag 33

<210> 5373

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5373

gcccaacacg gcggcagagt cagccccgca cag 33

<210> 5374

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5374

gcccaagggc agaataggct tgcttcggca cag 33

<210> 5375

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5375

gcccaacagt cggtttctgc tacgagggca cag 33

<210> 5376

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5376

gcccaacaaa gacccatccc ccaagccgca cag 33

<210> 5377

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5377

gcccaacaga gggcgattgg tattgaggca cag 33

<210> 5378

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5378

gcccaatttg ggcatgtggg tattaatgca cag 33

<210> 5379

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5379

gcccaatttg agcatgttcg ttcggaggca cag 33

<210> 5380

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5380

gcccaaaaaa gcgtcaccag caacaccgca cag 33

<210> 5381

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5381

gcccaactca ccggcaacgt caccgccgca cag 33

<210> 5382

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5382

gcccaaaatc atgcgtatcc gtcggcggca cag 33

<210> 5383

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5383

gcccaaatgc cgcagggtaa gagtgttgca cag 33

<210> 5384

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5384

gcccaactca gaaccgccgc caccagcgca cag 33

<210> 5385

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5385

gcccaagatt ctcagcatcg ggtttctgca cag 33

<210> 5386

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5386

gcccaattcc tcaacgaaca caccgtcgca cag 33

<210> 5387

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5387

gcccaaaaca gcaccggcac cagcatggca cag 33

<210> 5388

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5388

gcccaacata gtcctcctat gtcggcggca cag 33

<210> 5389

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5389

gcccaattga tgtcgcagcg tcctacggca cag 33

<210> 5390

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5390

gcccaaaaca ccaacgtcaa ccccccgca cag 33

<210> 5391

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5391

gcccaatggg gtggttattc ttcggctgca cag 33

<210> 5392

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5392

gcccaataca gcctcaaccc cagcggcgca cag 33

<210> 5393

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5393

gcccaaaaag aaagcaaaga cagagtcgca cag 33

<210> 5394

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5394

gcccaaaagc tggtgtcgag tcctgatgca cag 33

<210> 5395

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5395

gcccaaaaca ccgccagcca caacgccgca cag 33

<210> 5396

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5396

gcccaagaca tgagcaacaa aacctacgca cag 33

<210> 5397

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5397

gcccaactcg tccacaaaga cttccccgca cag 33

<210> 5398

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5398

gcccaaaaac ccgccctcgc ccaaaacgca cag 33

<210> 5399

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5399

gcccaaggca acgcccaacc cagcaaagca cag 33

<210> 5400

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5400

gcccaaagag tcgcccacac cgaaaacgca cag 33

<210> 5401

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5401

gcccaagttt ctgcgtcttt tatggcggca cag 33

<210> 5402

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5402

gcccaacggg tgctgacggc tgatgctgca cag 33

<210> 5403

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5403

gcccaaaccg tcgtcggcac caaacaagca cag 33

<210> 5404

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5404

gcccaacttg cgaggacgca gccttctgca cag 33

<210> 5405

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5405

gcccaaatgt cgagtagtca ttctgctgca cag 33

<210> 5406

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5406

gcccaaccgt cttcgaagtc tccgtcggca cag 33

<210> 5407

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5407

gcccaatatt ctggtgcgat gtcggtggca cag 33

<210> 5408

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5408

gcccaaccgc cgcctacgaa gtcgtatgca cag 33

<210> 5409

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5409

gcccaatctg cgccgcatgc tacgacggca cag 33

<210> 5410

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5410

gcccaagctt ctaagcctat ggttgctgca cag 33

<210> 5411

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5411

gcccaaaccc tcacctacgg cgacagagca cag 33

<210> 5412

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5412

gcccaagcca gaagcgacag caaagacgca cag 33

<210> 5413

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5413

gcccaaatga gcaaagccgc cagcctcgca cag 33

<210> 5414

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5414

gcccaaagca cccacaccag cgccgtcgca cag 33

<210> 5415

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5415

gcccaaactg ctcgtcttca ggatggtgca cag 33

<210> 5416

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5416

gcccaaagac ccgtcctcgg ccaacccgca cag 33

<210> 5417

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5417

gcccaagcca gcttcaaaac cgaagtcgca cag 33

<210> 5418

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5418

gcccaagtca ccagaaccgt caacgccgca cag 33

<210> 5419

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5419

gcccaagacc acgccagaag cggcggcgca cag 33

<210> 5420

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5420

gcccaaacga cgcatttgac ggtgagtgca cag 33

<210> 5421

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5421

gcccaagtcc ccaaaagcaa cggcaccgca cag 33

<210> 5422

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5422

gcccaaagac tcggcgtcgg ccccgaagca cag 33

<210> 5423

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5423

gcccaaaaca acagacaaac cagcgacgca cag 33

<210> 5424

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5424

gcccaaagat tcaccaacaa cgaagccgca cag 33

<210> 5425

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5425

gcccaaagtt cgcatcagat gcgggggggca cag 33

<210> 5426

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5426

gcccaaacta cgatggggac gatgttggca cag 33

<210> 5427

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5427

gcccaaacca acggcggcgt ccccatcgca cag 33

<210> 5428

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5428

gcccaaaaaa gcaacgaagg caacggcgca cag 33

<210> 5429

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5429

gcccaaaacg tcgccatgac caccctcgca cag 33

<210> 5430

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5430

gcccaataca gcggccacac ccccatggca cag 33

<210> 5431

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5431

gcccaaggta ctccgaatcg ggcgctggca cag 33

<210> 5432

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5432

gcccaaagaa gcggccccac ccaacccgca cag 33

<210> 5433

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5433

gcccaaatct tcaacctcaa acaagacgca cag 33

<210> 5434

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5434

gcccaacacg ccatgagcct cagccccgca cag 33

<210> 5435

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5435

gcccaaagcg aaagcatgct cagagaagca cag 33

<210> 5436

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5436

gcccaactcc ccagaccccc ccaagccgca cag 33

<210> 5437

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5437

gcccaacttg gtcttggggc tttgtctgca cag 33

<210> 5438

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5438

gcccaaattc ctaagtcggc ggatattgca cag 33

<210> 5439

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5439

gcccaagctc agtcgttgcg tactatggca cag 33

<210> 5440

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5440

gcccaaatgc ttactagttc gttggatgca cag 33

<210> 5441

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5441

gcccaaatct acagagacaa cgaaagagca cag 33

<210> 5442

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5442

gcccaaagcc cccccaccat gcccgccgca cag 33

<210> 5443

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5443

gcccaaccta tgaggagtgg tacgcctgca cag 33

<210> 5444

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5444

gcccaactcc tcagcaaaag cagcgaagca cag 33

<210> 5445

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5445

gcccaaaccg ccaacttcca agaaagagca cag 33

<210> 5446

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5446

gcccaaagcg gcaacagacc cgtcaccgca cag 33

<210> 5447

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5447

gcccaactga atcaggttga tagtcgtgca cag 33

<210> 5448

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5448

gcccaaatta cgccgagttc tagtaaggca cag 33

<210> 5449

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5449

gcccaagatg tttcgcttac taaggcggca cag 33

<210> 5450

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5450

gcccaaatca acatgagaac cgccgtcgca cag 33

<210> 5451

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5451

gcccaatcta agaatactgg tagtgctgca cag 33

<210> 5452

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5452

gcccaaggca gcgcccacca agaacccgca cag 33

<210> 5453

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5453

gcccaatcga agaatgctct gaatcatgca cag 33

<210> 5454

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5454

gcccaaggta aggctgtttc tgtgagtgca cag 33

<210> 5455

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5455

gcccaatatt cggggactgg tacggttgca cag 33

<210> 5456

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5456

gcccaaagta ttcctgatcg tcgtggtgca cag 33

<210> 5457

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5457

gcccaaaaca tcgccaacct caacgccgca cag 33

<210> 5458

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5458

gcccaatctg gtgcgcgtga gttgaatgca cag 33

<210> 5459

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5459

gcccaaggcc acagctacac caaagaagca cag 33

<210> 5460

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5460

gcccaaaccc tcaacagcat cagagccgca cag 33

<210> 5461

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5461

gcccaattgt ctctttcttc gattgctgca cag 33

<210> 5462

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5462

gcccaaaatg ttagtcgggt gacgaatgca cag 33

<210> 5463

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5463

gcccaatatg atacgacggc gaatcgggca cag 33

<210> 5464

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5464

gcccaaatcg acagactcaa cagcagcgca cag 33

<210> 5465

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5465

gcccaaacca ccaccaacag aatcagcgca cag 33

<210> 5466

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5466

gcccaattta atacggttag ggatagggca cag 33

<210> 5467

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5467

gcccaacgta cgttggcgga tgagcttgca cag 33

<210> 5468

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5468

gcccaaaggc atactattga gcaggcggca cag 33

<210> 5469

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5469

gcccaacaaa ccatgggcag cagcgtcgca cag 33

<210> 5470

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5470

gcccaactta ataggccgca gcatagtgca cag 33

<210> 5471

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5471

gcccaaatga gcgtcgccct cagaggcgca cag 33

<210> 5472

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5472

gcccaagaca acctcgccag aatgggcgca cag 33

<210> 5473

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5473

gcccaaacgg cgcataatgc tttgctggca cag 33

<210> 5474

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5474

gcccaacata cggatcggtc tgggcttgca cag 33

<210> 5475

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5475

gcccaatacg tcggcggcat cgtccccgca cag 33

<210> 5476

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5476

gcccaaaagc cgaatcagac tccgaatgca cag 33

<210> 5477

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5477

gcccaagccg gcagcagcct cctccccgca cag 33

<210> 5478

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5478

gcccaaagta atgttcatga taggtcggca cag 33

<210> 5479

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5479

gcccaagtca ccaaactcgg cagccccgca cag 33

<210> 5480

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5480

gcccaaagag gcgtcgaaag aagcagcgca cag 33

<210> 5481

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5481

gcccaaacga gtcttagtgg ttcgaatgca cag 33

<210> 5482

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5482

gcccaactca gcctcagcac caacaacgca cag 33

<210> 5483

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5483

gcccaactcg gccaaatcac cagacccgca cag 33

<210> 5484

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5484

gcccaaaatg cgtctcctgg gagtagtgca cag 33

<210> 5485

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5485

gcccaaatga aggcgaatag tctttcggca cag 33

<210> 5486

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5486

gcccaacata aggggatggc gaattcggca cag 33

<210> 5487

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5487

gcccaaggca gaaacaacta ccccgacgca cag 33

<210> 5488

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5488

gcccaactcc ccgaccaaaa atggcaagca cag 33

<210> 5489

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5489

gcccaaggcg tcaacaacag aggcagcgca cag 33

<210> 5490

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5490

gcccaaaaca gaatcggcat gcaacccgca cag 33

<210> 5491

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5491

gcccaagaga aggtgccgag tctgaatgca cag 33

<210> 5492

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5492

gcccaaggca gagacagcag caaccccgca cag 33

<210> 5493

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5493

gcccaaaccg gcagacccaa cctcatggca cag 33

<210> 5494

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5494

gcccaagtcg ccggcagaag ccccatggca cag 33

<210> 5495

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5495

gcccaactcc cccacgtcag cgtccccgca cag 33

<210> 5496

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5496

gcccaactca gaaccggcag cttcgccgca cag 33

<210> 5497

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5497

gcccaagcgg gtgtttctag tgggagtgca cag 33

<210> 5498

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5498

gcccaatgga gagacagcgg ccacggcgca cag 33

<210> 5499

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5499

gcccaaagct tcggcaacag acccgtcgca cag 33

<210> 5500

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5500

gcccaaaaag tcagccacaa cggcgacgca cag 33

<210> 5501

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5501

gcccaaaaca ccccccccta cgtccaagca cag 33

<210> 5502

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5502

gcccaaaaga aggataataa tcagccggca cag 33

<210> 5503

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5503

gcccaaacta ttaagtcttt gcctgtggca cag 33

<210> 5504

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5504

gcccaaatta atgcgatgcg gtcgcaggca cag 33

<210> 5505

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5505

gcccaaggca acagcatcgc caaaggcgca cag 33

<210> 5506

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5506

gcccaagtta ctactcctaa ggcttttgca cag 33

<210> 5507

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5507

gcccaaggca gcgtcgccgg cagcagagca cag 33

<210> 5508

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5508

gcccaaagtg ctaataatgc tcctaaggca cag 33

<210> 5509

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5509

gcccaagaca gactcaaccc cctccccgca cag 33

<210> 5510

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5510

gcccaaagaa accaacccac cgacgtcgca cag 33

<210> 5511

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5511

gcccaaaccc aagtcggcag cggccccgca cag 33

<210> 5512

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5512

gcccaactga gtcaggtttc gaggccggca cag 33

<210> 5513

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5513

gcccaaaacg gcgccaacct ccaaatggca cag 33

<210> 5514

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5514

gcccaaatgt tgacgacgaa ttctgtggca cag 33

<210> 5515

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5515

gcccaaactt ctacgcgtcc ttctccggca cag 33

<210> 5516

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5516

gcccaaaaat acatcggcag cggcgaagca cag 33

<210> 5517

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5517

gcccaaaata atcttacgag ggttacggca cag 33

<210> 5518

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5518

gcccaaaaaa tcgaaaccat gatgcccgca cag 33

<210> 5519

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5519

gcccaactca gccaccacac cagagacgca cag 33

<210> 5520

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5520

gcccaaactc ggacgaatcc tactgaggca cag 33

<210> 5521

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5521

gcccaaagca ccagaaacgt cgtcggcgca cag 33

<210> 5522

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5522

gcccaaagcg tcgacctcag aaaagacgca cag 33

<210> 5523

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5523

gcccaaaacg ccgccgcccc cgccagagca cag 33

<210> 5524

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5524

gcccaaaccc aaatcgccat cagccccgca cag 33

<210> 5525

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5525

gcccaacaaa aaaacctcag ccaaagcgca cag 33

<210> 5526

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5526

gcccaaactt ctatgggtgg tgagcctgca cag 33

<210> 5527

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5527

gcccaatcta cgtcgcatca gaatacggca cag 33

<210> 5528

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5528

gcccaactca gaggcagcat gcaaagcgca cag 33

<210> 5529

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5529

gcccaagtca cccaccaaat ccacaacgca cag 33

<210> 5530

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5530

gcccaaaacg tcagaaacgc ccccggcgca cag 33

<210> 5531

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5531

gcccaacagt cgaggagtgc tgctgcggca cag 33

<210> 5532

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5532

gcccaacata atcaggcgcc ttcgggtgca cag 33

<210> 5533

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5533

gcccaaattg gttcgatgca tcatactgca cag 33

<210> 5534

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5534

gcccaaacca accccggccc cctcgccgca cag 33

<210> 5535

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5535

gcccaaaaca ccccccacaa cgccagcgca cag 33

<210> 5536

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5536

gcccaaagag tcatcggcaa cagcagcgca cag 33

<210> 5537

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5537

gcccaatcga ctgggaatcg gtcggttgca cag 33

<210> 5538

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5538

gcccaaatga attctgaggt gactcgggca cag 33

<210> 5539

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5539

gcccaacagc aggctaaggg ttcgactgca cag 33

<210> 5540

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5540

gcccaacttg gtattcagcg tgggggtgca cag 33

<210> 5541

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5541

gcccaacatg tgggtgcggc tacttcggca cag 33

<210> 5542

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5542

gcccaaaagt ggaattctac gatggaggca cag 33

<210> 5543

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5543

gcccaaagca gagtccccga aagcaacgca cag 33

<210> 5544

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5544

gcccaactca tggccaaaag catgagcgca cag 33

<210> 5545

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5545

gcccaacggc ctatggagcc ttcgattgca cag 33

<210> 5546

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5546

gcccaacaag tcaccagcag cagacccgca cag 33

<210> 5547

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5547

gcccaaagag acgccaacat gagcagcgca cag 33

<210> 5548

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5548

gcccaaggtt tgctgagtca ggatggggca cag 33

<210> 5549

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5549

gcccaaacca tcaacgccca cagcatcgca cag 33

<210> 5550

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5550

gcccaactta cgggtaataa gccgcaggca cag 33

<210> 5551

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5551

gcccaaacct tcgacaccaa caaaaccgca cag 33

<210> 5552

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5552

gcccaaactc tgcagacgac gcgtcttgca cag 33

<210> 5553

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5553

gcccaaacca gccaaatgag aagccccgca cag 33

<210> 5554

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5554

gcccaagtta gtccttctaa taaggctgca cag 33

<210> 5555

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5555

gcccaactta atcggacgta tcctcctgca cag 33

<210> 5556

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5556

gcccaaaatg cggagctggc tgtgagggca cag 33

<210> 5557

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5557

gcccaaaggc cgaatacgac gactgatgca cag 33

<210> 5558

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5558

gcccaaacca acagaaccca actctacgca cag 33

<210> 5559

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5559

gcccaaccca aaagcagcgg catcaacgca cag 33

<210> 5560

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5560

gcccaaaaca acagcaacac cagacaagca cag 33

<210> 5561

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5561

gcccaacgtg tgacggatgc tgggtcggca cag 33

<210> 5562

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5562

gcccaagaca cccccaccac cagaaccgca cag 33

<210> 5563

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5563

gcccaaaacc tcaacctcag catgagcgca cag 33

<210> 5564

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5564

gcccaaccta atcggactgc taataatgca cag 33

<210> 5565

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5565

gcccaatgga atcggacgag tacggctgca cag 33

<210> 5566

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5566

gcccaacaaa gcaaccccgt catccccgca cag 33

<210> 5567

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5567

gcccaaatca gaaacgtcac cagcgacgca cag 33

<210> 5568

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5568

gcccaagaag tcaccgacac caccagagca cag 33

<210> 5569

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5569

gcccaagccc aaaacaaaag cggccccgca cag 33

<210> 5570

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5570

gcccaatata ttaatcagac tgagtctgca cag 33

<210> 5571

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5571

gcccaaagag tccccgtcag cgaaaacgca cag 33

<210> 5572

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5572

gcccaacaaa acggcaccaa actccaagca cag 33

<210> 5573

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5573

gcccaagggt attctaataa tacggctgca cag 33

<210> 5574

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5574

gcccaaaaca gaggcatggg caacgtcgca cag 33

<210> 5575

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5575

gcccaatata tgagggatcc gtcgactgca cag 33

<210> 5576

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5576

gcccaaagca tccccagcag agacgtcgca cag 33

<210> 5577

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5577

gcccaaggtc ctgtttctat gaattctgca cag 33

<210> 5578

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5578

gcccaatctg agggggtgac tcgtcttgca cag 33

<210> 5579

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5579

gcccaaagcg tcaacgccgg cgccatggca cag 33

<210> 5580

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5580

gcccaagaga tgacgaagac gattcctgca cag 33

<210> 5581

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5581

gcccaacacg ccagcgtcaa aatgcccgca cag 33

<210> 5582

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5582

gcccaaaaca acggcctcaa actcagcgca cag 33

<210> 5583

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5583

gcccaacctg tttctcataa tgctggtgca cag 33

<210> 5584

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5584

gcccaaaaag tcgccgccgc cgccgccgca cag 33

<210> 5585

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5585

gcccaaatgg cgaatgcgat taggagtgca cag 33

<210> 5586

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5586

gcccaattcg gccaaagcac cagcggcgca cag 33

<210> 5587

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5587

gcccaaacgt cgagtacgat tcttagggca cag 33

<210> 5588

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5588

gcccaaaacg tcagcagagc cgaacacgca cag 33

<210> 5589

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5589

gcccaaagaa ccgcccccag caccgaagca cag 33

<210> 5590

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5590

gcccaactcg ccagaagcga acacctcgca cag 33

<210> 5591

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5591

gcccaaagca ccggccaccc cagccaagca cag 33

<210> 5592

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5592

gcccaatcgc gtccggataa gaatctggca cag 33

<210> 5593

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5593

gcccaaaaaa aaagcgacag ccccaacgca cag 33

<210> 5594

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5594

gcccaagtca acagcagaat ctacgccgca cag 33

<210> 5595

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5595

gcccaactgc ggcagatggc taatggggca cag 33

<210> 5596

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5596

gcccaagaaa gactcaaagg cagcagcgca cag 33

<210> 5597

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5597

gcccaaatgt cgtatatgcg ggtggatgca cag 33

<210> 5598

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5598

gcccaattta attctaagct tcagcttgca cag 33

<210> 5599

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5599

gcccaaagag aacacgtcaa cgacagcgca cag 33

<210> 5600

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5600

gcccaaggca gccccagcca aaacaccgca cag 33

<210> 5601

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5601

gcccaacata ctgctgagaa ggctccggca cag 33

<210> 5602

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5602

gcccaaagca tgagcggcaa actcgacgca cag 33

<210> 5603

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5603

gcccaaacca gccaaagcag aaccagcgca cag 33

<210> 5604

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5604

gcccaatggc cgacgcagag tggtagtgca cag 33

<210> 5605

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5605

gcccaagaca acaccaccag actcaaagca cag 33

<210> 5606

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5606

gcccaatcgt ctgctgctgg gaagtgggca cag 33

<210> 5607

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5607

gcccaatcga agtttgctca tgtggctgca cag 33

<210> 5608

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5608

gcccaacaaa cctaccaagg cagcaccgca cag 33

<210> 5609

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5609

gcccaaaccg tcaacctcaa cagagccgca cag 33

<210> 5610

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5610

gcccaaagat acggcagcag cctccccgca cag 33

<210> 5611

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5611

gcccaaagaa gcaacagcag caacctcgca cag 33

<210> 5612

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5612

gcccaacaag gccccagcat cagagacgca cag 33

<210> 5613

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5613

gcccaatgga gagacctcgc ccccgtcgca cag 33

<210> 5614

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5614

gcccaacaca gcgacatcca aagacccgca cag 33

<210> 5615

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5615

gcccaattgg cggcgatgac gaatgctgca cag 33

<210> 5616

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5616

gcccaaagcg ccaaccacac ccacaccgca cag 33

<210> 5617

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5617

gcccaaggga agctgtcggt ggagaatgca cag 33

<210> 5618

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5618

gcccaaaaac ccggcgccaa ccccccgca cag 33

<210> 5619

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5619

gcccaactta ctgagggtcg tcatgatgca cag 33

<210> 5620

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5620

gcccaacttg ggtcgaatat ttatccggca cag 33

<210> 5621

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5621

gcccaaaacg gcgcccacag cagcgaagca cag 33

<210> 5622

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5622

gcccaaaata cgatgggtgg tgcggcggca cag 33

<210> 5623

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5623

gcccaaagaa cccccatcgg ccaacccgca cag 33

<210> 5624

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5624

gcccaatata gtgtggctca gcagccggca cag 33

<210> 5625

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5625

gcccaacctc attctaaggg gatgcttgca cag 33

<210> 5626

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5626

gcccaagttc cggcgcatgg gatgggtgca cag 33

<210> 5627

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5627

gcccaaattg gtggggttcc tcagcgtgca cag 33

<210> 5628

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5628

gcccaagtgc aggggacggt ttcgagggca cag 33

<210> 5629

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5629

gcccaaagtg gtgggagtgg tgctcctgca cag 33

<210> 5630

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5630

gcccaaaaag tccccaccca aaccgaagca cag 33

<210> 5631

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5631

gcccaaattt cgacgatgaa gcctagtgca cag 33

<210> 5632

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5632

gcccaaagca gagtcgtcga acaagccgca cag 33

<210> 5633

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5633

gcccaagtcc tcagcagaca aagcaccgca cag 33

<210> 5634

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5634

gcccaagtcg tcaccaccag cagcatggca cag 33

<210> 5635

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5635

gcccaaagta cgggttcttc gggtttggca cag 33

<210> 5636

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5636

gcccaaccca acagagccgc caacaacgca cag 33

<210> 5637

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5637

gcccaatatc ctgttaatag tcagcctgca cag 33

<210> 5638

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5638

gcccaaaaaa gcgccagccc ctacgacgca cag 33

<210> 5639

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5639

gcccaaagca aaagctgggg cgccgccgca cag 33

<210> 5640

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5640

gcccaatctg cgatgctgaa ggttgatgca cag 33

<210> 5641

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5641

gcccaacgga gtcagacgat tcaggctgca cag 33

<210> 5642

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5642

gcccaaccca gcagcagact cggcgacgca cag 33

<210> 5643

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5643

gcccaaatcg gccccagagg cacccaagca cag 33

<210> 5644

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5644

gcccaagcca gcaaaggcca atacctcgca cag 33

<210> 5645

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5645

gcccaagtta ggactcttac tgttgatgca cag 33

<210> 5646

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5646

gcccaacgtg ggaatgctgc gaatgaggca cag 33

<210> 5647

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5647

gcccaattcg gcagccaccc cagcgtcgca cag 33

<210> 5648

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5648

gcccaaggtc atccgactcc tgttaatgca cag 33

<210> 5649

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5649

gcccaaagcc tcaaccccgt cagaatggca cag 33

<210> 5650

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5650

gcccaaagta ttcggggtca gcctttgca cag 33

<210> 5651

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5651

gcccaaaccg ccaaattcaa ccaaggcgca cag 33

<210> 5652

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5652

gcccaattga tttcgacgca tgatatggca cag 33

<210> 5653

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5653

gcccaacaaa gcagagacaa catcagagca cag 33

<210> 5654

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5654

gcccaaaaca acggcaacaa aggcttcgca cag 33

<210> 5655

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5655

gcccaaaatg tgaattatga tgggcgggca cag 33

<210> 5656

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5656

gcccaattca tgaaaggcgc cagcgccgca cag 33

<210> 5657

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5657

gcccaactcg ccaccagcac ccaaatggca cag 33

<210> 5658

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5658

gcccaagttc atggtgggta ttcggctgca cag 33

<210> 5659

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5659

gcccaaagag gcagcgaacc catgcaagca cag 33

<210> 5660

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5660

gcccaaggtc tgcgtacgag tgggacggca cag 33

<210> 5661

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5661

gcccaactct acaaaggcgg cgtcagcgca cag 33

<210> 5662

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5662

gcccaaatga aaacccacag ccccccgca cag 33

<210> 5663

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5663

Ala Gln Thr Leu Gln Ile Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 5664

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5664

Ala Gln Thr Ala Leu Lys Pro Phe Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5665

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5665

Ala Gln Thr Thr Leu Lys Pro Phe Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5666

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5666

Ala Gln Ser Ile Glu Arg Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210

> 5667

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5667

Ala Gln Thr Gln Asn Arg Pro Phe Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5668

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5668

Ala Gln Thr Met Gln Lys Pro Phe Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5669

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5669

Ala Gln Thr Ser Thr Arg Pro Phe Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5670

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5670

Ala Gln Gly Thr Phe Val Pro Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5671

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5671

Ala Gln Trp Ser Thr Asn Ala Gly Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 5672

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5672

Ala Gln Thr Leu Glu Arg Pro Phe Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5673

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5673

Ala Gln Thr Ala Ala Lys Pro Phe Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5674

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5674

Ala Gln Ile Arg Ile Gly Tyr Ser Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 5675

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5675

Ala Gln Glu Arg Val Gly Phe Ala Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 5676

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5676

Ala Gln Ala Asp Leu Leu Asn Tyr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5677

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5677

Ala Gln Leu Val Ala Gly Phe Ser Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 5678

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5678

Ala Gln Ser Ser Leu Lys Pro Phe Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5679

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5679

Ala Gln Thr His Ser Arg Pro Phe Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5680

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5680

Ala Gln Pro Phe Pro Gly Tyr Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 5681

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5681

Ala Gln Ile Ile Val Gly Tyr Ser Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 5682

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5682

Ala Gln Arg Tyr Gln Gly Asp Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5683

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5683

Ala Gln Arg Tyr Ala Gly Asp Ser Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5684

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5684

Ala Gln Lys Thr Ile Gly Glu His Trp Ala Gln

1 5 10

<210> 5685

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5685

Ala Gln Trp Met Thr His Gly Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 5686

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5686

Ala Gln Ala Ala Ser Arg Pro Phe Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5687

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5687

Ala Gln Thr Thr Ser Arg Pro Phe Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5688

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5688

Ala Gln Ala Arg Val Gly Leu Ala Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 5689

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5689

Ala Gln Gly Thr Ser Pro Asn Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 5690

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5690

Ala Gln Val Arg Thr Gly Tyr Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5691

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5691

Ala Gln Ile Arg Val Gly Tyr Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5692

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5692

Ala Gln Thr Thr Leu Arg Pro Phe Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5693

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5693

Ala Gln Gly Ile Thr Ser Leu Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 5694

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5694

Ala Gln Thr Thr Gln Thr Pro Phe Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5695

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5695

Ala Gln Thr Val Ser Arg Pro Phe Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5696

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5696

Ala Gln Tyr Gly Thr Asn Pro Phe Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5697

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5697

Ala Gln Pro Thr Met Val Asp Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5698

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5698

Ala Gln Asn Lys Ala Ser Ser Gln Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 5699

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5699

Ala Gln Thr Phe Arg Ser Ser Asn Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 5700

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5700

Ala Gln Leu Pro Asp Arg Tyr Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 5701

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5701

Ala Gln Gln Asn Val Thr Lys Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5702

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5702

Ala Gln Ala Gln Ser Pro Ile Leu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5703

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5703

Ala Gln Val Ala Thr Gly Tyr Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5704

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5704

Ala Gln Leu Asn Ser Asn Arg Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 5705

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5705

Ala Gln Thr Ile Arg Asn Asn Thr Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5706

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5706

Ala Gln Asp Leu Ser Arg Ile Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 5707

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5707

Ala Gln Leu Ser Asn Ser Ala Ser Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 5708

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5708

Ala Gln Leu Glu Asn Met Val Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5709

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5709

Ala Gln Leu Thr Gln Gln Thr Asp Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5710

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5710

Ala Gln Ala Gly Leu Ala His Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5711

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5711

Ala Gln Asn Ala His Thr Ala Leu Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 5712

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5712

Ala Gln Trp Pro Ile Leu Arg Ala Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 5713

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5713

Ala Gln Ala Leu Ala Gly Leu Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5714

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5714

Ala Gln Arg Ile Asp Met Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 5715

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5715

Ala Gln Thr Met Ser Leu Ser Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5716

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5716

Ala Gln Gln Asn Val Ala Lys Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5717

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5717

Ala Gln Phe Asp Asn Pro Asn Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5718

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5718

Ala Gln Val Leu Met Arg Glu Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5719

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5719

Ala Gln His His Asp Thr Gly Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 5720

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5720

Ala Gln Asp Ala Pro Asn Ser Val Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 5721

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5721

Ala Gln Thr Ala Ser Arg Asp Ala Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 5722

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5722

Ala Gln Thr Asn Tyr Thr Lys Gln Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5723

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5723

Ala Gln Pro His Asn Ala Ser Val Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5724

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5724

Ala Gln Thr Asn Asn Thr Arg Asn Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5725

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5725

Ala Gln Met Val Pro Asn His Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 5726

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5726

Ala Gln Pro Val Pro Gln Ser Glu His Ala Gln

1 5 10

<210> 5727

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5727

Ala Gln Leu Tyr His Gly Gly Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5728

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5728

Ala Gln Met Ile His Thr Arg Glu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5729

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5729

Ala Gln Thr Asn Asn Thr Lys Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5730

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5730

Ala Gln Leu Asn Thr Thr Arg Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5731

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5731

Ala Gln Ala Leu His Asn Ser Gln Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 5732

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5732

Ala Gln Val Asn Ser Thr Arg Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5733

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5733

Ala Gln Gly Val Gly Val Val Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 5734

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5734

Ala Gln Val Leu Ser Lys Gln Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 5735

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5735

Ala Gln Ser Lys Ser Leu Gln Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5736

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5736

Ala Gln Ser Asn Ser Thr Arg Leu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5737

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5737

Ala Gln Leu Asn Gln Thr Lys Gln Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5738

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5738

Ala Gln Asn Asn Ser Val Arg Gln Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5739

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5739

Ala Gln Met Ser Gly Tyr Ser His Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5740

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5740

Ala Gln Val Lys Val Pro Ile Ile Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5741

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5741

Ala Gln Gly Asn Asn Thr Arg Ala Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5742

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5742

Ala Gln Gln Asn Gln Ile Lys Asn Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5743

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5743

Ala Gln Thr Asn Met Thr Lys Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5744

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5744

Ala Gln Asn Asn Ser Thr Arg Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5745

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5745

Ala Gln Ser Met Leu Thr Ser Ile Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5746

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5746

Ala Gln Leu Asn Ala Thr Ala Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5747

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5747

Ala Gln Asn Thr Gly Val Gln Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5748

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5748

Ala Gln Thr Asn Thr Val Arg Pro Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5749

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5749

Ala Gln Gln Ser Thr Pro Gly Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5750

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5750

Ala Gln Gly His Ser Glu Asn Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5751

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5751

Ala Gln Leu Pro Thr Gln Thr Leu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5752

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5752

Ala Gln Lys Asn Ala Pro Met Pro Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 5753

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5753

Ala Gln Ser Asn Ser Thr Lys Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5754

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5754

Ala Gln Pro Ile Ile Thr Met Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 5755

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5755

Ala Gln Pro Leu Lys Gly Ile Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5756

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5756

Ala Gln Val Leu Ser Val Asn His Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5757

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5757

Ala Gln Ser Val Ala Ala Val His Met Ala Gln

1 5 10

<210> 5758

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5758

Ala Gln Ser Asn Ser Ile Arg Leu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5759

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5759

Ala Gln His Asn Asp Thr Arg Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5760

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5760

Ala Gln Pro Pro Val Arg Ser Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 5761

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5761

Ala Gln Met Asn Thr Val Arg Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5762

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5762

Ala Gln Leu Thr Asp Gly His Arg Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5763

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5763

Ala Gln Thr Asn Ala Val Lys Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5764

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5764

Ala Gln Arg Val Asp Ala Val Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5765

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5765

Ala Gln Thr Asn Ala Val Lys Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5766

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5766

Ala Gln Met Leu Asn Thr Thr Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5767

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5767

Ala Gln Gly Asn Asn Thr Arg Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5768

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5768

Ala Gln Gln Ser Gly Gly Ser Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5769

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5769

Ala Gln Val Ile Ala Leu Ser Thr Met Ala Gln

1 5 10

<210> 5770

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5770

Ala Gln Leu Asn Thr Ile Arg Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5771

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5771

Ala Gln Ser Asn Ala Thr Arg Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5772

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5772

Ala Gln Gly Asn Gly Thr Lys Phe Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5773

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5773

Ala Gln Ser Asn Thr Ile Arg Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5774

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5774

Ala Gln Ser Asn Ser Thr Arg Ala Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5775

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5775

Ala Gln Phe His Leu Thr Asp Arg Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 5776

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5776

Ala Gln Pro Ile Arg Ser Asp Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5777

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5777

Ala Gln Ala Asn Gln Ile His Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5778

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5778

Ala Gln Ser Asn Thr Val Arg Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5779

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5779

Ala Gln Thr Ser Leu Gly Tyr Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5780

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5780

Ala Gln Ile Ser Gly Val Gln Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5781

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5781

Ala Gln Ser Asn Ala Val Arg Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5782

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5782

Ala Gln Ser Leu Ser Glu Leu Arg Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5783

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5783

Ala Gln Ser Thr Glu Lys Arg Asp Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 5784

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5784

Ala Gln Asn Leu Val Gly Thr Leu Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5785

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5785

Ala Gln Gly Asn Asn Ile Arg Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5786

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5786

Ala Gln Ala Val Pro Thr Gly Leu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5787

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5787

Ala Gln Gly Asp Asn Ser Leu Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5788

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5788

Ala Gln His Ala Asp Asn Arg Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 5789

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5789

Ala Gln Ser Asn Ala Thr Arg Asn Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 5790

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5790

Ala Gln Gly Asn Thr Thr Arg Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5791

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5791

Ala Gln Leu Asn Leu Thr Ala Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 5792

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5792

Ala Gln Ser Gly Val Ser Thr Thr Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 5793

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5793

Ala Gln Tyr Ala Lys Thr Leu Ala Met Ala Gln

1 5 10

<210> 5794

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5794

Ala Gln Met Asn His Thr Lys Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5795

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5795

Ala Gln Ala Asn Ala Thr Arg Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5796

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5796

Ala Gln Gln Asn Gln Thr Lys Ile Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5797

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5797

Ala Gln Ser Asn Ala Ile Lys Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5798

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5798

Ala Gln Tyr Pro Asp Asn Tyr Gly Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 5799

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5799

Ala Gln Gly Asn Thr Thr Ile Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5800

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5800

Ala Gln Leu Gly Leu Thr Gly Ala Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5801

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5801

Ala Gln Ala Asn Ser Thr Arg Ile Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5802

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5802

Ala Gln Asp Asn Ala Ile Arg Ala Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 5803

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5803

Ala Gln Thr Asn Tyr Thr Lys Leu Met Ala Gln

1 5 10

<210> 5804

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5804

Ala Gln His Asn Ser Pro Ser Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 5805

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5805

Ala Gln Glu Asn Met Val Arg Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5806

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5806

Ala Gln Thr Asn Asn Ile Lys Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 5807

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5807

Ala Gln Thr Asn Ser Thr Arg Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5808

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5808

Ala Gln His Thr Ala Pro Pro His Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 5809

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5809

Ala Gln Ala Leu Ser Gln Asn Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5810

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5810

Ala Gln Pro Asn Val Thr Lys Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 5811

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5811

Ala Gln Leu Asp Thr Leu Thr Gly Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 5812

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5812

Ala Gln Pro Asn Ser Val Arg Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5813

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5813

Ala Gln Thr Ser Ser His Leu Pro His Ala Gln

1 5 10

<210> 5814

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5814

Ala Gln Val Leu His Gly Gly Asn Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 5815

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5815

Ala Gln Ser Asn Tyr Val Lys Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 5816

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5816

Ala Gln Asp Asn Asn Ser Thr Arg Trp Ala Gln

1 5 10

<210> 5817

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5817

Ala Gln Thr Val Met Lys Gly Phe Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5818

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5818

Ala Gln Ser His Thr Leu Ser Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5819

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5819

Ala Gln Pro Gly Pro Gln Gln Ala Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 5820

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5820

Ala Gln Thr Phe Gly Thr Ser Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5821

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5821

Ala Gln Ser Asn Ala Val Thr Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5822

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5822

Ala Gln Leu Ser Met Ser Thr Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 5823

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5823

Ala Gln Arg Arg Tyr Asp Gly Arg Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 5824

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5824

Ala Gln Thr Asn Ser Thr Lys Asn Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5825

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5825

Ala Gln Ile Asn Ala Gln Trp Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 5826

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5826

Ala Gln Ala Gln Thr Ser Asn Asp Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 5827

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5827

Ala Gln Thr Asn Glu Thr Arg Met Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5828

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5828

Ala Gln Ala Asn Ala Thr Arg Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5829

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5829

Ala Gln Ala Asp Val Asn Ala Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 5830

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5830

Ala Gln Leu Ser Glu Arg Asn Tyr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5831

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5831

Ala Gln Ser Gly Glu Leu Ala Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 5832

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5832

Ala Gln Gly Asn Thr Ala Lys Asn Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5833

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5833

Ala Gln Asp Asn Ala Val Arg Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5834

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5834

Ala Gln Met Met Leu Ser Gly Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 5835

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5835

Ala Gln Pro Asn Thr Ile Arg Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5836

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5836

Ala Gln Glu Asn Leu Thr Arg Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5837

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5837

Ala Gln Phe Ser Ala Arg Ser Thr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 5838

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5838

Ala Gln Glu Asn Ala Thr Arg Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 5839

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5839

Ala Gln Gly Asn Ser Thr Arg Met Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 5840

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5840

Ala Gln Gly Asn Ser Thr Lys Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 5841

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5841

Ala Gln Met Gln Thr Thr Leu His Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5842

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5842

Ala Gln Asn Pro Thr Leu Ile Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5843

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5843

Ala Gln Leu Ile Ser Gly His Ala Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 5844

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5844

Ala Gln Phe Asn Gln Val Arg Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5845

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5845

Ala Gln Met Asn Ile Leu Arg Glu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5846

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5846

Ala Gln Ser Ala Met Met Arg Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5847

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5847

Ala Gln Pro Met Leu Ser Ser Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5848

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5848

Ala Gln Gln Asn Asn Thr Leu Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5849

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5849

Ala Gln Arg His Ser Asp Pro Val Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 5850

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5850

Ala Gln Val Asn Thr Thr Phe Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5851

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5851

Ala Gln Ile Asn Ser Thr Arg Gly Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5852

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5852

Ala Gln Thr Asn Ala Val Arg Asp Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5853

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5853

Ala Gln Ser Asn Ser Thr Arg Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5854

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5854

Ala Gln Thr Ser Ile Ala Gly Ser Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 5855

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5855

Ala Gln Leu Gly Ser Thr Tyr Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5856

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5856

Ala Gln Ala Asn Val Thr Thr Gln Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5857

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5857

Ala Gln Ser Asn Ser Val Arg Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5858

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5858

Ala Gln Ala Thr Asn Glu Pro Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5859

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5859

Ala Gln Arg Met Asn Pro Glu Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5860

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5860

Ala Gln Ser Val Ser Gly Ser Ala Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 5861

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5861

Ala Gln Pro Ser Asn Ser Thr Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5862

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5862

Ala Gln Leu Phe His Gly Thr His Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 5863

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5863

Ala Gln Pro Gln Leu Gly Ser Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 5864

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5864

Ala Gln Pro Ile Ser Ala Asn Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5865

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5865

Ala Gln Asn Ser Gly Asn Leu Ser Met Ala Gln

1 5 10

<210> 5866

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5866

Ala Gln Lys Val Glu Ala Ile Gly Met Ala Gln

1 5 10

<210> 5867

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5867

Ala Gln Lys Thr Leu Leu Asn Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5868

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5868

Ala Gln Asn Ala Met Asp Leu Lys Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5869

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5869

Ala Gln Met Met Gly Asn Gly Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5870

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5870

Ala Gln Ser Asn Ser Thr Lys Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5871

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5871

Ala Gln Ser Asn Ser Thr Arg Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5872

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5872

Ala Gln Ser Leu Ser Ser Leu His Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5873

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5873

Ala Gln Thr Leu Ser Gly Ala Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5874

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5874

Ala Gln Pro Asn Thr Val Arg Asn Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 5875

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5875

Ala Gln Asn Asn Asn Val Lys Met Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5876

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5876

Ala Gln Ser Val Ala Lys Pro Phe Met Ala Gln

1 5 10

<210> 5877

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5877

Ala Gln Thr Gln Thr Thr Arg Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5878

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5878

Ala Gln Asn Asn Ala Thr Arg Gly Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 5879

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5879

Ala Gln Thr Asn Thr Thr Ala Arg Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5880

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5880

Ala Gln Glu Asn Ser Ile Arg Thr Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5881

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5881

Ala Gln Ile Arg Glu Thr Ser Gly Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 5882

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5882

Ala Gln Ser Ile Tyr Tyr His Thr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 5883

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5883

Ala Gln Val Leu Asp Asn Ser Gly Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 5884

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5884

Ala Gln Ser His Asn Met Thr Ile Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5885

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5885

Ala Gln Thr Ile Pro Ser Ala Gly Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 5886

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5886

Ala Pro Pro Arg His Thr Leu Ser Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 5887

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5887

Ala Gln Ser Leu Asn Val Gln Asp Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5888

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5888

Ala Gln Tyr Gln Ser Leu Ala Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 5889

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5889

Ala Gln Ile Leu Asn Met Ser Thr Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 5890

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5890

Ala Gln Val Leu His Leu Gly His Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5891

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5891

Ala Gln Gly Val Thr Gln Thr Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5892

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5892

Ala Gln Thr Asn Asp Thr Arg Arg Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5893

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5893

Ala Gln Gln Thr Asp His Thr Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5894

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5894

Ala Gln Lys Asn Glu Ile Lys Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5895

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5895

Ala Gln Trp Thr Gly Asn Glu Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5896

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5896

Ala Gln Gly Lys Ser Asp Ala Met Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5897

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5897

Ala Gln Gly Asn Ala Thr Arg Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 5898

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5898

Ala Gln Ala Ser Asn Leu Gly Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 5899

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5899

Ala Gln Ser Ser Leu Ser Gly Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 5900

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5900

Ala Gln Ala Ala Val Asn Gln Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5901

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5901

Ala Gln Asp Gln Asn Gln Pro Arg Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 5902

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5902

Ala Gln Leu Thr Gln Asp Lys Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 5903

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5903

Ala Gln Phe Gly Ser Asn Glu His Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 5904

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5904

Ala Gln Leu Asn Gln Pro Asn Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5905

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5905

Ala Gln Met Asn Thr Thr Arg Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5906

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5906

Ala Gln Thr Asn Ser Thr Arg Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5907

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5907

Ala Gln Phe Glu Leu Ser His Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 5908

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5908

Ala Gln Glu Gly Leu Gly Asn Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 5909

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5909

Ala Gln Leu Thr Val Thr Leu Asn His Ala Gln

1 5 10

<210> 5910

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5910

Ala Gln Phe Gly Asn Ala Ile Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5911

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5911

Ala Gln Pro Gly Gly Gly Leu Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 5912

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5912

Ala Gln Pro Asn Met Thr Arg Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5913

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5913

Ala Gln Ser Gln Leu His Arg Leu Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 5914

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5914

Ala Gln Asn Asp Pro Val Leu Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5915

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5915

Ala Gln Glu Asn Ser Val Arg Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5916

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5916

Ala Gln Asp Arg Val Thr Asn Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 5917

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5917

Ala Gln Leu Asn Thr Gly Gln Met Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5918

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5918

Ala Gln Ile Ser Pro Ser Gln Val Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 5919

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5919

Ala Gln Tyr Ser Ala Asp Lys Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5920

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5920

Ala Gln Ile Asp Ser Ala Gly Met Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 5921

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5921

Ala Gln Ser Asn Asn Ile Lys Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 5922

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5922

Ala Gln Leu Glu Thr Gln Pro Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5923

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5923

Ala Gln Asn Leu His Ser Asn Val Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5924

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5924

Ala Gln Met Val Lys Asp Thr Gln Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5925

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5925

Ala Gln Leu Met His Leu Thr Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 5926

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5926

Ala Gln Val Ala Ser Pro Asp Lys Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5927

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5927

Ala Gln Val Val Ala Val Leu Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5928

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5928

Ala Gln Asn Ile Met Val Asn Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 5929

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5929

Ala Gln Pro Tyr Ser Gly Gln Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5930

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5930

Ala Gln Pro Leu Leu Lys Thr Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5931

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5931

Ala Gln Gly Asn Thr Thr Val Arg Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 5932

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5932

Ala Gln Thr Asn Lys Val Arg Asp Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 5933

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5933

Ala Gln Pro Ser Thr Ala Leu Leu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5934

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5934

Ala Gln Ile Gln Ser Ile Thr Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 5935

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5935

Ala Gln Pro Leu His Ala Asn Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5936

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5936

Ala Gln Thr Ala His Ala Glu Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5937

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5937

Ala Gln Thr Asn Thr Asp Ser Tyr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5938

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5938

Ala Gln Thr His Val Ser Leu Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5939

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5939

Ala Gln Phe Ser Thr Lys Asp His Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5940

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5940

Ala Gln Asp Asn Thr Gln Thr Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 5941

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5941

Ala Gln Ser Asn Arg Ile Ile Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 5942

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5942

Ala Gln Thr Asn Ser Val Arg Asn Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 5943

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5943

Ala Gln Ser Asn Glu Val Arg Asn Met Ala Gln

1 5 10

<210> 5944

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5944

Ala Gln Glu Leu Tyr Lys Pro Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5945

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5945

Ala Gln Trp Ile Thr Gly Gly Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5946

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5946

Ala Gln Asn Asn Ser Val Arg Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5947

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5947

Ala Gln His Thr Ala Val Leu Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5948

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5948

Ala Gln Asn Thr Leu Ser Leu Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 5949

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5949

Ala Gln Pro Asn Ala Ser Val Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5950

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5950

Ala Gln Val Thr Gly Gly Asn Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 5951

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5951

Ala Gln Val Asn Glu Asn Leu Ile Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 5952

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5952

Ala Gln Val Leu Thr Thr His Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 5953

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5953

Ala Gln His Thr Gln Leu Pro Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5954

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5954

Ala Gln Arg Gln Ser Leu Glu Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5955

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5955

Ala Gln Pro Asp Val Thr Glu Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5956

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5956

Ala Gln Pro Thr Asn Ile Met Leu Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 5957

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5957

Ala Gln Pro Asn Met Ser Ala Met Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5958

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5958

Ala Gln Ile Met Asn Gly Gln Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5959

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5959

Ala Gln Asn Asn Asn Ser Thr Arg Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 5960

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5960

Ala Gln Ala Asn Val Thr Arg Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5961

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5961

Ala Gln Gln Asn Leu Gly Leu Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5962

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5962

Ala Gln Gln Ala Gln Met Ser Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 5963

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5963

Ala Gln Leu Thr Met Ala Thr Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5964

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5964

Ala Gln Asp Arg Asp Ser Val Gln Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 5965

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5965

Ala Gln Val Asn Pro Thr Asn Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5966

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5966

Ala Gln Pro Ser Phe Thr Thr Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5967

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5967

Ala Gln Arg Glu Thr Pro Ile Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 5968

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5968

Ala Gln Ser Leu Asn Phe Thr Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 5969

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5969

Ala Gln Gly Met Ser Gly Val Ala Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 5970

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5970

Ala Gln Lys Val Asp Ala Ala Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5971

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5971

Ala Gln His Ile Thr Thr Asn Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5972

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5972

Ala Gln Glu Arg Glu Ser Ala Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5973

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5973

Ala Gln Asp Asn Arg Thr Gln Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5974

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5974

Ala Gln Ser Ala Pro Asn Val Thr Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5975

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5975

Ala Gln Glu Asn Gly Thr Arg Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5976

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5976

Ala Gln Gly Thr Ala Val Phe Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 5977

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5977

Ala Gln Ala Asn Asn Met Ser Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5978

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5978

Ala Gln Gly Asn His Thr Tyr Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 5979

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5979

Ala Gln Leu Ser Pro Ser Asn Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 5980

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5980

Ala Gln Met Gly Ala Asp His Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5981

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5981

Ala Gln Ser Asn Ser Thr Arg Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5982

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5982

Ala Gln Asn Thr Ser Gly Val Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 5983

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5983

Ala Gln Ile Asn Thr Ala Val Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5984

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5984

Ala Gln Met Gly Val Gln Ala Tyr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5985

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5985

Ala Gln Gly Asn Phe Val Lys Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 5986

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5986

Ala Gln Val Asn Ser Val Arg Met Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 5987

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5987

Ala Gln His Asp Ser Ala Asn Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 5988

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5988

Ala Gln Leu Gly Val Arg Asp Asp Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 5989

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5989

Ala Gln Ser Asn Ala Val Arg Ala Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 5990

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5990

Ala Gln Pro Val Leu Ala Ala Thr Met Ala Gln

1 5 10

<210> 5991

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5991

Ala Gln Asn Lys Pro Val Ser Gly Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 5992

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5992

Ala Gln Val Gly Leu Ala Ser His Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 5993

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5993

Ala Gln Gly Ser Asn Thr Asn Met Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 5994

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5994

Ala Gln Val Ala Thr Thr Val His Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 5995

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5995

Ala Gln Asn Thr Leu Asp Ser Arg Val Ala Gln

1 5 10

<210> 5996

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5996

Ala Gln Arg Glu Ala Asn Leu Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 5997

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5997

Ala Gln Val Asp Ala Leu Ser His Met Ala Gln

1 5 10

<210> 5998

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5998

Ala Gln Leu Arg Leu Ala Gly Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 5999

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 5999

Ala Gln Ile Thr Val Thr Asn Tyr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6000

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6000

Ala Gln Trp Asp Ser Gly Ser Gly Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 6001

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6001

Ala Gln Phe Ala Ser Glu Thr Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6002

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6002

Ala Gln Gln Asn Val Thr Gly Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6003

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6003

Ala Gln Leu Asn Gly Leu Asn Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6004

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6004

Ala Gln Asn Met Leu Lys Gln Ser Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 6005

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6005

Ala Gln Phe Asn Glu Val Pro Lys Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6006

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6006

Ala Gln Leu Gly Asp Ile Thr Gly Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 6007

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6007

Ala Gln Ile Ser Ala Ser His Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6008

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6008

Ala Gln Ser Gln Thr Gln Ile Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6009

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6009

Ala Gln Asn Met Ala Thr Gln Met Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6010

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6010

Ala Gln Val Asn His Asn Ile Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6011

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6011

Ala Gln Asn Ala Leu Gln Val Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6012

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6012

Ala Gln Asn Ser Thr Gly Ile Asp Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6013

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6013

Ala Gln Val Val Ala Gly His Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6014

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6014

Ala Gln Arg Asn Asp Ala Ile Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6015

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6015

Ala Gln Asn Arg Val Asp Ser Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6016

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6016

Ala Gln Ser Thr His Ser Thr Tyr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6017

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6017

Ala Gln Ser Gly His Gly Thr Leu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6018

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6018

Ala Gln Pro Asn Ser Thr Thr Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6019

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6019

Ala Gln Asp Thr Lys Pro Thr Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6020

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6020

Ala Gln Asn Arg Asp Thr Ile Asn Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6021

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6021

Ala Gln Pro Arg Thr Leu Ser Asp Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6022

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6022

Ala Gln Thr Lys Asp Val Thr Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6023

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6023

Ala Gln Leu Gly Asn Pro Thr Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6024

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6024

Ala Gln Tyr Gln Ala Met Tyr Arg Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6025

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6025

Ala Gln Ser Gly Val Gln Glu Phe Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6026

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6026

Ala Gln Ser Asn His Leu Ser Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6027

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6027

Ala Gln His Asp Glu Arg Ala Asn Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6028

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6028

Ala Gln Thr Asn Ser Thr Arg Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6029

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6029

Ala Gln Pro Thr Asp Lys Ser Tyr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6030

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6030

Ala Gln Met Thr Glu Gln Arg Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6031

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6031

Ala Gln Thr Asn Ala Thr His Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6032

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6032

Ala Gln Asn Arg Gly Thr Phe Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6033

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6033

Ala Gln Asn Thr Thr Lys Phe Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6034

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6034

Ala Gln Gly Ile Pro Pro Leu Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6035

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6035

Ala Gln Thr Ala Asn Ser Thr Gln Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6036

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6036

Ala Gln Thr Gln Gly Pro Gly Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6037

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6037

Ala Gln Met Asn Thr Thr Arg Asn Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6038

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6038

Ala Gln Leu Arg Glu Gly Thr Phe Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6039

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6039

Ala Gln Asn Ile Ser Ser Thr Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6040

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6040

Ala Gln Ser Val Ser Arg Pro Phe Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6041

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6041

Ala Gln Pro Met Ser Ala Asn Gly Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6042

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6042

Ala Gln Glu Val Arg Gly Asn Thr Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 6043

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6043

Ala Gln Ser Gln Lys Gly Leu Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6044

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6044

Ala Gln Ile Ala Glu Asn Leu Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6045

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6045

Ala Gln Phe Ser Asn Met Asn Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6046

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6046

Ala Gln Pro Arg Glu Arg Thr Tyr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6047

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6047

Ala Gln Trp Ser His Asn Pro Asp Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6048

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6048

Ala Gln Gly Leu Gln Thr Leu Ile Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6049

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6049

Ala Gln Ser Asn Arg Thr Lys Asp Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6050

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6050

Ala Gln Val Thr Glu Thr Ile Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6051

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6051

Ala Gln Tyr Val Thr Arg Ser Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6052

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6052

Ala Gln Met Asn Ala Asn Ile Leu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6053

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6053

Ala Gln Thr Thr Asn Arg Val Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6054

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6054

Ala Gln Val Leu Lys Ser His Leu Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6055

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6055

Ala Gln Ser Asp Gly Leu Arg Thr Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6056

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6056

Ala Gln Leu Asn Ser Val Lys Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6057

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6057

Ala Gln Ser Gln Ala Ile Ala Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6058

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6058

Ala Gln Ser Asn Asn Val Arg Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6059

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6059

Ala Gln Ile Ser His Leu Ser Glu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6060

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6060

Ala Gln Leu Leu Pro Gly Met Arg Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 6061

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6061

Ala Gln Leu Leu Ala Ser Ala Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6062

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6062

Ala Gln Asn His Asn Gly Met Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6063

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6063

Ala Gln His Ser Gly Glu Leu Asn Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6064

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6064

Ala Gln Leu Ser Ala Pro Lys Asp Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6065

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6065

Ala Gln Ile Gly Thr His Val Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6066

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6066

Ala Gln Ala Val Ala Leu Ala Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6067

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6067

Ala Gln Ile Thr Leu Gln Ser Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6068

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6068

Ala Gln Val Asp His Ser Leu Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6069

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6069

Ala Gln Gly Asn Glu Ala Thr Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6070

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6070

Ala Gln Pro Val Ser Ser Thr Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6071

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6071

Ala Gln Pro Tyr Gln Thr Ser Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6072

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6072

Ala Gln Thr Ser Val Val Ser Ala Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 6073

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6073

Ala Gln Asn Gly Val Pro Asp Asn Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6074

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6074

Ala Gln Ser Thr Gln Thr Ile Gly Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 6075

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6075

Ala Gln Ile Arg Ser Ser Asp Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6076

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6076

Ala Gln Asn Thr Gln Ser Ala Lys Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6077

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6077

Ala Gln Ser Leu Glu Ser Ser Arg Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6078

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6078

Ala Gln Leu Asn Leu Ala Ser Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6079

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6079

Ala Gln Met Gln Glu Arg Arg Glu Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6080

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6080

Ala Gln Trp Leu Leu Lys Asp Gly Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6081

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6081

Ala Gln Gly Arg Tyr Gln Thr Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6082

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6082

Ala Gln Asn Thr Thr Lys Phe Pro Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 6083

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6083

Ala Gln Met Ser Asn Gly Ile Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6084

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6084

Ala Gln Pro Ile Arg Asp Pro Glu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6085

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6085

Ala Gln Ser Thr Leu Ser Pro His Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6086

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6086

Ala Gln Phe Met Pro Ile Ser Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6087

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6087

Ala Gln Arg Ser Asp Thr Gln Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6088

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6088

Ala Gln Asp Asn His Val Met Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6089

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6089

Ala Gln Asn Leu Ser Ser Lys Ser Trp Ala Gln

1 5 10

<210> 6090

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6090

Ala Gln Ser Thr Ile Leu Lys Asp Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6091

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6091

Ala Gln Pro Thr His Gln Ser Lys Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6092

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6092

Ala Gln Thr Glu Val Thr Gln Asn Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6093

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6093

Ala Gln His Leu Asp Ser Asn Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6094

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6094

Ala Gln Asn Thr Asp Ser Arg Val Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6095

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6095

Ala Gln Ser Met Gly Leu Lys Glu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6096

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6096

Ala Gln Leu Ser Thr Ser Tyr Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6097

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6097

Ala Gln Ser Gly Met Ser Asn Asn His Ala Gln

1 5 10

<210> 6098

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6098

Ala Gln Thr Asn Tyr Asp Leu Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6099

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6099

Ala Gln Thr Pro Gln Ser Gln Glu Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6100

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6100

Ala Gln Asn Ser Asn Met Val Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6101

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6101

Ala Gln Ser Ala Val Pro Asn Val Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6102

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6102

Ala Gln Val Leu Val Ala Gly Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6103

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6103

Ala Gln Gly Asn Asn Ser Arg Asn Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6104

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6104

Ala Gln Met Pro Arg Gly His Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6105

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6105

Ala Gln Trp Ser His Ser Glu Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6106

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6106

Ala Gln Phe Glu Lys Asp Pro Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6107

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6107

Ala Gln Ile Thr Gln Ala Thr Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6108

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6108

Ala Gln Ala Asn Leu Ser His Leu His Ala Gln

1 5 10

<210> 6109

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6109

Ala Gln Gly Ile Thr Asn Ser Thr Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6110

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6110

Ala Gln Pro Ser Gln Gln Pro Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6111

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6111

Ala Gln Gln Gln Thr His Glu Asp Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6112

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6112

Ala Gln Gln Val Asn Val Ser Pro Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6113

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6113

Ala Gln Lys Ala Val Val Thr Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6114

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6114

Ala Gln Asn Thr Val Arg Ser Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6115

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6115

Ala Gln Asn Ala Ser Ser His Leu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6116

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6116

Ala Gln Tyr Ile Lys Asp Ser Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6117

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6117

Ala Gln Ser Ser Glu Ser Thr Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6118

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6118

Ala Gln Lys Glu Asn Val Glu Gly Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6119

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6119

Ala Gln Asn Asn Val Leu Gly Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6120

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6120

Ala Gln Gln Asn Val Ser Ile Leu Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6121

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6121

Ala Gln Pro Leu Asn Ser Glu Asn Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6122

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6122

Ala Gln Thr Ile Asn Leu Val Gly Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6123

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6123

Ala Gln Pro Ala Leu Ala Ala Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6124

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6124

Ala Gln Thr Leu Gln Asn Ser Ile Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6125

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6125

Ala Gln Leu Gly Gly Thr Asp Gly His Ala Gln

1 5 10

<210> 6126

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6126

Ala Gln Ala Gly Pro Ile Asn Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6127

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6127

Ala Gln His Val Leu Thr Gln Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6128

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6128

Ala Gln Thr Thr Ile Pro Ser His Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6129

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6129

Ala Gln His Asp Gly Leu Leu Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6130

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6130

Ala Gln Ser Ile His Thr Gly Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6131

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6131

Ala Gln Gly Asn Met Thr Lys Phe Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6132

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6132

Ala Gln Tyr Ala Leu Ser Thr Asp Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6133

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6133

Ala Gln Thr Gln Ala Asp Asn Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6134

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6134

Ala Gln Trp Tyr Lys Thr Leu Asp Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6135

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6135

Ala Gln Pro Gln Tyr Ala Lys Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6136

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6136

Ala Gln Leu Ala Thr Asp Asn Lys Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6137

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6137

Ala Gln Leu Ser Val Val Ile Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6138

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6138

Ala Gln Asn Val Pro Thr Ser Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6139

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6139

Ala Gln Ala Arg Pro Asp Leu Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6140

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6140

Ala Gln Ser Ala Leu Ala Asn Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6141

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6141

Ala Gln Leu Met Asp Phe Ser Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6142

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6142

Ala Gln Pro Arg Thr Glu Leu Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6143

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6143

Ala Gln Thr Ser Asp Ile Lys Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6144

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6144

Ala Gln Ser Asn Ala Thr Met Arg Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 6145

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6145

Ala Gln Val Gln Ser Pro Ala Leu Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6146

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6146

Ala Gln Thr Ala Asn Thr Thr Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6147

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6147

Ala Gln Gln His Met Thr Ser Gln Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6148

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6148

Ala Gln Ser Asn Met Ser Leu Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6149

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6149

Ala Gln Ile Thr Gly Ile Pro Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6150

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6150

Ala Gln Phe Thr Asn Asn Val Arg Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6151

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6151

Ala Gln Asn Ser Asn Ala Gly Gly Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6152

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6152

Ala Gln Tyr Asn Thr Asp Ile Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6153

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6153

Ala Gln Phe Ser Asn Pro Asp Lys Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6154

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6154

Ala Gln Leu Met Thr Thr Ser Thr Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6155

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6155

Ala Gln Thr Asn Ser Thr Leu Arg Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6156

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6156

Ala Gln Ser Asn Tyr Thr Lys Ile Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6157

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6157

Ala Gln Ser Ala Gly Leu Ile Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6158

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6158

Ala Gln Lys Gln Gly Pro Met Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6159

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6159

Ala Gln Val Arg Thr Pro Gly Val Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6160

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6160

Ala Gln Thr Pro Asp His Arg Glu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6161

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6161

Ala Gln Met Asn Ala Thr Val Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6162

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6162

Ala Gln Leu His Ser Met Leu Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6163

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6163

Ala Gln Asp Met His His Ser Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6164

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6164

Ala Gln Lys Pro Leu Pro Thr Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6165

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6165

Ala Gln Ala Met Gln Val Thr Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6166

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6166

Ala Gln Ser Pro Thr His Asp Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6167

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6167

Ala Gln Ala Leu Ser Val Lys Glu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6168

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6168

Ala Gln Pro Ser Arg Val Pro Thr Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6169

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6169

Ala Gln Gly Ser Leu Gly Leu Gly Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6170

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6170

Ala Gln His Ser Ser Tyr Ser Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6171

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6171

Ala Gln Pro Asn Pro Ser Asn Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6172

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6172

Ala Gln Thr Lys Asn Gly Val Ala Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6173

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6173

Ala Gln Gly Ser Thr Ser Ser Ala Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6174

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6174

Ala Gln Arg Ser Thr His Glu Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6175

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6175

Ala Gln Ser Gly His Asp Arg Asp Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6176

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6176

Ala Gln Asn Thr Gln Ser Tyr Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6177

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6177

Ala Gln Asp Arg Val Pro His Leu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6178

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6178

Ala Gln Asn Asn Pro Pro His Met Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6179

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6179

Ala Gln Arg Ser Leu Gln Ser Gln Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 6180

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6180

Ala Gln Ile Arg Asp Asp Arg Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6181

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6181

Ala Gln Met Leu Ser Ala Pro Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6182

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6182

Ala Gln Thr Ser Ser Ile Leu Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6183

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6183

Ala Gln Arg Glu Gln Met Asn Leu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6184

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6184

Ala Gln Lys Thr Gln Ser Leu Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6185

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6185

Ala Gln Leu Lys Thr Ala Glu Tyr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6186

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6186

Ala Gln Ser Ser Glu Lys Pro Phe Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6187

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6187

Ala Gln Pro Thr Ser Gly Val Phe Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6188

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6188

Ala Gln Gly Pro Ser Ile Val Thr Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6189

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6189

Ala Gln Thr Ser Asp Lys Ser Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6190

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6190

Ala Gln Asn Thr Ile Thr Met Ala Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6191

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6191

Ala Gln Arg Asn Gln Pro Val Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6192

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6192

Ala Gln Ser Val His Leu Asn Leu Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6193

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6193

Ala Gln Tyr Asn Leu Thr Met Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6194

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6194

Ala Gln Thr Ala Asp Ser His Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6195

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6195

Ala Gln Leu Leu Gly Glu Lys Val Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6196

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6196

Ala Gln Trp Asp Leu Thr Ala Pro Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6197

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6197

Ala Gln Val Leu Ala Asp Arg Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6198

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6198

Ala Gln Ser Arg Ala Leu Pro Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6199

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6199

Ala Gln Ser Ser Leu Asn Met Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6200

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6200

Ala Gln Gln Lys Val Ser Ile Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6201

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6201

Ala Gln Arg Gly Asp Asn Ser Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6202

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6202

Ala Gln Arg Ile Asp Leu Gly Ser Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6203

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6203

Ala Gln Ala Ser Leu Gly Leu Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6204

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6204

Ala Gln Ser Met Gln Asn Gly Leu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6205

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6205

Ala Gln Thr Leu Ala Val Gly Ile Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6206

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6206

Ala Gln Gly Gln Thr Val Thr Gly Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6207

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6207

Ala Gln His Ala Leu Ser Pro Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6208

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6208

Ala Gln Val Ser Ser Val Phe Thr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 6209

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6209

Ala Gln Tyr Gly Ala Gly Ala Val Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6210

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6210

Ala Gln Lys Glu Thr Leu Pro Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6211

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6211

Ala Gln Ile Pro Ser Gln Thr Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6212

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6212

Ala Gln Ser Ala Ile Ser Thr Phe Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6213

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6213

Ala Gln Val Asn Ser Thr Ser Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6214

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6214

Ala Gln Pro Thr Arg Asp Tyr Lys Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 6215

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6215

Ala Gln Asn Asn Pro Ala Ser Thr Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6216

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6216

Ala Gln Val Thr Gln Thr Ser Val Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6217

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6217

Ala Gln Trp Ala Gly Thr Thr Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 6218

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6218

Ala Gln Val Thr Ala Gly Phe Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6219

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6219

Ala Gln Leu His Ser Pro Ser Met Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6220

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6220

Ala Gln Phe Pro Thr Gln Pro Ser Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6221

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6221

Ala Gln Ala Gln Ser Val Asn Asp Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6222

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6222

Ala Gln Val Ala Ser Thr Thr Tyr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6223

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6223

Ala Gln Leu Gly Gly Leu Asn Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6224

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6224

Ala Gln Ala Gly Ala Pro Ser Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6225

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6225

Ala Gln Ser Asn Arg Lys Ile Asp Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6226

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6226

Ala Gln Ser Pro Asn Asn Arg Ala Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6227

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6227

Ala Gln Val Leu Arg Glu Asp Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6228

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6228

Ala Gln Leu Leu Ala Thr Gly Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6229

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6229

Ala Gln Val His Leu Arg Ser Gln Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6230

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6230

Ala Gln Ser Ala Asn Ser Asn Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6231

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6231

Ala Gln Ser Lys Ala Gly Glu Gly Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6232

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6232

Ala Gln Val Ser Asn Pro Ala Met Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6233

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6233

Ala Gln Ile Asn Gly Asn Asn Gln Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6234

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6234

Ala Gln Tyr Lys Ser Thr Thr Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6235

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6235

Ala Gln Lys Glu Gly Leu Val Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6236

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6236

Ala Gln His Leu Lys Val Met Thr Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6237

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6237

Ala Gln Arg Thr Asn Asp His Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6238

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6238

Ala Gln Leu Pro Ser Gln Ser Ala Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6239

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6239

Ala Gln Ile Thr Leu Arg His Leu Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6240

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6240

Ala Gln Gln Met Ile Ala Asn Ile Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6241

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6241

Ala Gln Ser Ser Ser Thr Asp Gln His Ala Gln

1 5 10

<210> 6242

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6242

Ala Gln Arg Ser Thr Asp Phe Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6243

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6243

Ala Gln Gln His Ala Ser Ile Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6244

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6244

Ala Gln Asn Ile Ser Ser Met Gln Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6245

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6245

Ala Gln Ser Gly Asn Val Val Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6246

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6246

Ala Gln Ser Lys Gly Asp Thr Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6247

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6247

Ala Gln Leu Leu Asn Thr Gly Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6248

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6248

Ala Gln Gly Thr Gly Ala Ser Met Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6249

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6249

Ala Gln Arg Leu Asp Ala Asn Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6250

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6250

Ala Gln Leu Pro Glu Arg Pro Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6251

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6251

Ala Gln Ala Arg Glu Ile Leu Asn His Ala Gln

1 5 10

<210> 6252

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6252

Ala Gln Asn Phe Lys Thr Thr Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6253

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6253

Ala Gln Gly Arg Thr Val Gln Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6254

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6254

Ala Gln Gly Met Asn Gln Thr Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6255

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6255

Ala Gln Val Gly Lys Asp Gly Val Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6256

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6256

Ala Gln Val Thr Arg Asp Gly Ala Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6257

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6257

Ala Gln Gly Thr Ala Thr Tyr Gly Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6258

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6258

Ala Gln Met Leu Gly Ala Glu Gly Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6259

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6259

Ala Gln Val Thr Gln Gln Asn His His Ala Gln

1 5 10

<210> 6260

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6260

Ala Gln Thr Val Asn Ala Asp Gln Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6261

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6261

Ala Gln Gln Met Gln Asn Ser Pro Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6262

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6262

Ala Gln Gly Thr Leu Ala Ser Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6263

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6263

Ala Gln Ser Asn Val Thr Ile Ala His Ala Gln

1 5 10

<210> 6264

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6264

Ala Gln Ala Asn Asn Ser Arg Pro Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 6265

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6265

Ala Gln Ile Ala Thr Ala Gly Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6266

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6266

Ala Gln Ala Phe Ser Gly Pro Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6267

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6267

Ala Gln Leu Thr Asn Leu Val Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6268

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6268

Ala Gln Ala Gly Gln His Leu Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6269

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6269

Ala Gln Ser Val Val Ala Ser Ala Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6270

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6270

Ala Gln Glu Thr Val Ser Thr Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6271

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6271

Ala Gln Ile Leu Ala Ala Leu Thr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6272

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6272

Ala Gln Thr Thr Asp Lys Ala Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6273

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6273

Ala Gln Tyr Leu Asp Lys Pro Gly Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6274

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6274

Ala Gln Pro Asn Leu Ser Asn Leu Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6275

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6275

Ala Gln Ile Asn Ala Pro Thr Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6276

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6276

Ala Gln His Gly Gly Thr Ser Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6277

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6277

Ala Gln Asn Ile Gln Leu Ser Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6278

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6278

Ala Gln Thr Leu His Met Ser Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6279

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6279

Ala Gln Ala Ile Ile Asn Pro His Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6280

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6280

Ala Gln Asn Thr Leu Ile Asn Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6281

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6281

Ala Gln Asn Ser Val Val Leu Ala Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6282

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6282

Ala Gln Asn Met Ala Ser Leu Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6283

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6283

Ala Gln Ser Ser Thr His Leu Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6284

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6284

Ala Gln Asp Asn Ser Gln Ser Asp Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6285

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6285

Ala Gln Gly Ile Thr Thr Asn Ala His Ala Gln

1 5 10

<210> 6286

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6286

Ala Gln Ser Ser Thr Ile Asn Gly Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6287

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6287

Ala Gln Asn His Thr Arg Met Asn Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 6288

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6288

Ala Gln Gly Asn Gln Gln Lys Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6289

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6289

Ala Gln Gly Thr Ser Asp Arg Gln Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6290

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6290

Ala Gln Ser Asp Ser Glu Tyr Lys Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6291

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6291

Ala Gln Thr Ala Ala His Val Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6292

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6292

Ala Gln Met Ala Thr Thr His Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6293

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6293

Ala Gln Asn Ser Val Arg Gln Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6294

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6294

Ala Gln Ser Gly Ser Gly Val Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6295

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6295

Ala Gln Pro Thr Thr Arg Ile Thr Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6296

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6296

Ala Gln Ser His Glu Ala Lys Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6297

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6297

Ala Gln Pro Tyr Ser Thr Ala Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6298

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6298

Ala Gln Met Leu Ser Asn Thr Asn His Ala Gln

1 5 10

<210> 6299

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6299

Ala Gln Ser Leu Gly Leu Gly Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6300

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6300

Ala Gln Asn Ala Met Asn Met Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6301

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6301

Ala Gln Met Leu Gly His Ile Ala Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6302

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6302

Ala Gln Lys Gly Gln Thr Val Ser Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 6303

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6303

Ala Gln Met Asp Asn Arg Asn Asn Trp Ala Gln

1 5 10

<210> 6304

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6304

Ala Gln Leu Leu His Arg Asn Asp Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6305

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6305

Ala Gln Ala Asn Leu Val Ser Ala Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6306

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6306

Ala Gln Ser Leu Thr Arg Asp Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6307

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6307

Ala Gln Gly Gly Gln Ile Val Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6308

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6308

Ala Gln Asn Tyr Thr Pro Asp Lys Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6309

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6309

Ala Gln Leu Tyr Ala Asn His His Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6310

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6310

Ala Gln Glu Ser Val Ala Gly His Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6311

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6311

Ala Gln Glu Pro Arg Gln Asp Ala His Ala Gln

1 5 10

<210> 6312

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6312

Ala Gln Ser Val Gly Gly Thr Thr Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6313

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6313

Ala Gln Gln Pro Ala Met Phe Asn Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6314

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6314

Ala Gln Val Lys Gln Thr Val Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6315

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6315

Ala Gln Leu Tyr Glu Gln Ala Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6316

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6316

Ala Gln Ile Asn Ala Ala Ile Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6317

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6317

Ala Gln Leu Glu Leu Ser His Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6318

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6318

Ala Gln Ser Val Lys Ser Ile Met Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6319

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6319

Ala Gln Val Pro Asn Arg Glu Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6320

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6320

Ala Gln Ile Ala Ser Leu Leu Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6321

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6321

Ala Gln Ala Asn Asn Val Ala Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6322

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6322

Ala Gln Ser Val Asp Arg Ala Glu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6323

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6323

Ala Gln Val Leu Ala Asp Arg Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6324

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6324

Ala Gln Arg Thr Asp Ser Ser His Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6325

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6325

Ala Gln Ile Leu Gly Thr Gly Gly Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6326

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6326

Ala Gln Ser Thr Ala Gln Ala Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6327

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6327

Ala Gln Val Gly Pro Ile Asn Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6328

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6328

Ala Gln Gln Thr Asn Asn Thr Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6329

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6329

Ala Gln Gly Asn Ala Val Arg Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6330

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6330

Ala Gln Gln Asn Leu Thr Lys Gly Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6331

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6331

Ala Gln Lys Gln Leu Ser Lys Asp Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6332

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6332

Ala Gln Met Val Gln Asn Gly Leu Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6333

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6333

Ala Gln Ile Val Glu His Met Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6334

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6334

Ala Gln Tyr Asp Thr Thr Ser Ile Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 6335

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6335

Ala Gln Asn Ser Ile Ser Ser Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6336

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6336

Ala Gln Gly Gly Asn Asn Ser Leu His Ala Gln

1 5 10

<210> 6337

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6337

Ala Gln Ile Ser Gly Ala Ser Leu Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6338

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6338

Ala Gln Ala Thr Leu Ser Arg Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6339

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6339

Ala Gln Leu Ala Asn Asn Val Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6340

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6340

Ala Gln Trp Ser Asp Pro Ser Asp Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6341

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6341

Ala Gln Ser Ser Leu Thr Asp Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6342

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6342

Ala Gln Tyr Val Pro Asp His Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6343

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6343

Ala Gln Asn Asn Thr Glu Gly Lys Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6344

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6344

Ala Gln Gly Asn Ser Val Arg Leu Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6345

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6345

Ala Gln Ile Ala Gln Ser Asn Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6346

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6346

Ala Gln His Asp Asn Ala Thr Lys Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6347

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6347

Ala Gln Thr Lys Ala Asn Glu Met Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6348

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6348

Ala Gln Tyr Leu Gly Thr Val Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6349

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6349

Ala Gln Pro Ser Ile Glu Leu Lys Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6350

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6350

Ala Gln Ala Ala Gly Asn Val Leu Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6351

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6351

Ala Gln Thr Ser Val Ala Asn Leu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6352

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6352

Ala Gln Phe Ser Arg Glu Pro Lys Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6353

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6353

Ala Gln Thr Pro Arg Glu Asn Trp Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6354

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6354

Ala Gln Ser Gln Asn Val Gly Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6355

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6355

Ala Gln Tyr Leu Asp Lys Gly Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6356

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6356

Ala Gln Thr Ser Thr Thr Pro Phe Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6357

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6357

Ala Gln Arg Gln Asp Asn Leu Glu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6358

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6358

Ala Gln Ile Ser Asp Ser Arg Val His Ala Gln

1 5 10

<210> 6359

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6359

Ala Gln Ser Gln Ser Ser His Tyr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6360

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6360

Ala Gln Leu Asn Arg Val Val Ser Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6361

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6361

Ala Gln Met Ala Leu Asp Asn Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6362

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6362

Ala Gln Leu Ile Gln Ser Met Ala Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6363

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6363

Ala Gln Ala Gly Glu Pro Asn Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6364

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6364

Ala Gln Ser Asn Gln Ser Thr Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6365

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6365

Ala Gln Thr Ser Asn Leu Ser Glu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6366

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6366

Ala Gln Ser Asn Ser Thr Ser Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6367

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6367

Ala Gln Met Gln Gln Gln Phe Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6368

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6368

Ala Gln Phe Asn Thr Leu Ala Glu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6369

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6369

Ala Gln Pro Gly Val Thr Val Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6370

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6370

Ala Gln Leu Gln Asn Val His Asp Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6371

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6371

Ala Gln Asn Ser Val Ile Gly Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6372

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6372

Ala Gln Asn Glu Gly Val Arg Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6373

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6373

Ala Gln Ser Val Asn Pro Ser Val Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6374

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6374

Ala Gln Met Ser Thr Thr Ser Glu Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6375

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6375

Ala Gln Ile His Ser Gly Leu Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6376

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6376

Ala Gln Gly Met Asn Gly Tyr Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6377

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6377

Ala Gln Ser Ile Arg Asp Ser Val Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6378

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6378

Ala Gln Met Leu Lys Pro Asp Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6379

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6379

Ala Gln Ala Phe Thr Ser Ser Leu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6380

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6380

Ala Gln Met Leu Asp Lys Ser Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6381

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6381

Ala Gln Lys Thr Gln Asn Thr Gln Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6382

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6382

Ala Gln Gly Thr Thr Ser Ser Met Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6383

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6383

Ala Gln Gly Ser Ala Ala Ser Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6384

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6384

Ala Gln Ala His Ser Asn Ile Asp Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6385

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6385

Ala Gln Gly Ser Ala Ser Ser Leu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6386

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6386

Ala Gln Leu Ser Pro Asn Ser Ser Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 6387

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6387

Ala Gln Gly His Ser Val Thr Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6388

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6388

Ala Gln Lys Gly Gly Asn Ser Ile Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6389

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6389

Ala Gln Leu Gly Pro Ser Pro Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6390

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6390

Ala Gln Gln Leu Pro Met Leu Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6391

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6391

Ala Gln Ala Thr Asn Ile Leu Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6392

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6392

Ala Gln Leu Met Gln Asn Gly Gln Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6393

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6393

Ala Gln His Asn Asn Gly Gln Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6394

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6394

Ala Gln Ser Ile Thr Gln Thr Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6395

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6395

Ala Gln Gly Asn Arg Ile Ser Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6396

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6396

Ala Gln Gly Pro Gln Asn Asp Pro Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6397

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6397

Ala Gln Ile Asn Gly Met Gly Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6398

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6398

Ala Gln Thr Gly Asn Ala His Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6399

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6399

Ala Gln Tyr Ala Val Asn Leu Asn Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6400

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6400

Ala Gln Ala Leu Ile Ser Asn Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6401

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6401

Ala Gln Ser His Val Ser Thr Thr Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6402

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6402

Ala Gln Leu Asp Asp Phe Val Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6403

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6403

Ala Gln Asn Asn Thr Ala Arg Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6404

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6404

Ala Gln Asn Lys Tyr Pro Gln Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6405

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6405

Ala Gln Tyr Ala Ser Glu Leu Phe Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6406

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6406

Ala Gln Phe Tyr Thr Ala Asn Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6407

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6407

Ala Gln Phe Thr Lys Ser Asn Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6408

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6408

Ala Gln Leu Ala Val Ser Gln Met Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6409

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6409

Ala Gln Arg Asn Gly Gln Leu Ile Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6410

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6410

Ala Gln Asp Thr Ala Asn Thr Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6411

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6411

Ala Gln Lys Pro Thr Glu Val Gln His Ala Gln

1 5 10

<210> 6412

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6412

Ala Gln Leu Thr Asn Ala Ala Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6413

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6413

Ala Gln Ile Ser Asn Val Gln Ala Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6414

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6414

Ala Gln Glu Ser Arg Asn Asn Gly Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 6415

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6415

Ala Gln Ser Thr Gly Pro Thr Met His Ala Gln

1 5 10

<210> 6416

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6416

Ala Gln Thr Pro Gly Glu Ser His Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6417

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6417

Ala Gln Ser Val Ser Ile Ala Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6418

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6418

Ala Gln Asn Gly Val Thr Gln Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6419

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6419

Ala Gln Ala Lys Asn Thr Tyr Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6420

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6420

Ala Gln Gly Thr Ser Asp Gly His Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6421

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6421

Ala Gln Trp Ser Gln Asn Lys Gly Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6422

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6422

Ala Gln Gly Gln Leu Ala Arg Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6423

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6423

Ala Gln Ile Gly Gly Gly Ala Gln Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6424

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6424

Ala Gln Ala Gly Asn Ala Ser His Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6425

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6425

Ala Gln Phe Asn Gln Val Gly Lys Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6426

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6426

Ala Gln Thr Arg Asp Thr Leu Tyr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6427

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6427

Ala Gln Asn Gly Ser Pro Ser Tyr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6428

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6428

Ala Gln Leu Ala Glu Ala His Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6429

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6429

Ala Gln Pro Met Ser Asn Ser Glu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6430

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6430

Ala Gln His Val Thr Ser Leu Asn Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6431

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6431

Ala Gln Gly Ala Pro His Val Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6432

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6432

Ala Gln Asn Thr Asn Gly Asn Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6433

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6433

Ala Gln Asn Glu Leu Thr Gly Met Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6434

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6434

Ala Gln Ser Ser Leu Leu Pro Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6435

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6435

Ala Gln Pro Val Gly Gln Ser Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6436

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6436

Ala Gln Leu Thr Ala Ala Lys Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6437

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6437

Ala Gln Leu Ile Gly Arg Leu Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6438

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6438

Ala Gln Ala Lys His Asn Asp Asn Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6439

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6439

Ala Gln Leu Arg Ser Gly Asp Glu Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6440

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6440

Ala Gln Pro Gln Asn Ser Thr Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6441

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6441

Ala Gln Leu Ala Thr Gly Pro Leu Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 6442

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6442

Ala Gln Ala Ser Ala Val Ser Gln Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6443

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6443

Ala Gln Ala Pro Val Ser Ser Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6444

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6444

Ala Gln Thr Met Pro Ser Leu Asp Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6445

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6445

Ala Gln His Met Asn Phe Pro Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6446

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6446

Ala Gln Ala Ser Ala Arg Met Asp Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6447

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6447

Ala Gln Thr Val Ile Val Gly Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6448

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6448

Ala Gln Ser Ser Gln Ser Gln Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6449

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6449

Ala Gln Ile Asn Thr Thr Ser Gln Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6450

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6450

Ala Gln Ala Gly Ala Arg Val Thr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 6451

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6451

Ala Gln Pro Ala Pro His Ser Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6452

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6452

Ala Gln Leu Asn Val Met Tyr Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6453

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6453

Ala Gln Gly His Ala Gln Thr Leu Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6454

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6454

Ala Gln Thr Pro Asn Leu Ser Thr His Ala Gln

1 5 10

<210> 6455

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6455

Ala Gln Ser Ala Glu Arg Thr Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6456

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6456

Ala Gln Asn Asn Leu Arg Pro Val Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6457

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6457

Ala Gln Asn Gln Gln Ser Ala Tyr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6458

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6458

Ala Gln Val Val Asp Gly Lys Thr Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6459

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6459

Ala Gln Pro Leu Pro Gln Gln Leu Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6460

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6460

Ala Gln Val Ala Glu Ile Val Gln Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6461

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6461

Ala Gln Asp Arg Asn Thr Thr Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6462

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6462

Ala Gln Asn Met Met Lys Thr Gly Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6463

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6463

Ala Gln Val Gln Phe Asn Thr Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6464

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6464

Ala Gln Pro Gly Asn Ala Ser Ile Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6465

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6465

Ala Gln Leu Gly Gly Ile Leu Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6466

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6466

Ala Gln Gln Thr Asp His Ser His Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6467

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6467

Ala Gln Thr Leu His Ala Glu Phe Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6468

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6468

Ala Gln Leu Ser Asp Arg Leu Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6469

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6469

Ala Gln Leu Asn Glu Arg Ile Gly Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6470

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6470

Ala Gln Thr Leu Asn Ser Thr Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6471

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6471

Ala Gln Ser Gly Arg Val Val Ala Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6472

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6472

Ala Gln Asn Asn Arg Thr Thr Asn Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6473

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6473

Ala Gln Asn Val Pro Ser Ser Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6474

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6474

Ala Gln Val Pro Ser Thr Ala Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6475

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6475

Ala Gln Pro Pro Asn Thr Gln Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6476

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6476

Ala Gln Thr Asn Thr Thr Arg Ala Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6477

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6477

Ala Gln Ser Asn Arg Thr Val Arg Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 6478

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6478

Ala Gln Ala Ser Thr Gln Ile Met Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6479

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6479

Ala Gln Thr Val Ile Ser Ser Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6480

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6480

Ala Gln Val Tyr Ser Pro Gln Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6481

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6481

Ala Gln Gly Ser Pro Thr Gln Ser Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6482

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6482

Ala Gln Ala Val Ser Ser Glu Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6483

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6483

Ala Gln Gly Ser Val Ala Thr Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6484

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6484

Ala Gln Ser Ala Asn Thr Gly Thr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6485

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6485

Ala Gln Ile Val Gln Gly Thr Ser Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6486

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6486

Ala Gln Thr Pro Ser Leu Gly Val Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6487

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6487

Ala Gln Pro Asn Met Met Gly Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6488

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6488

Ala Gln Leu Thr Gln Ser Pro Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6489

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6489

Ala Gln Lys Gly Ser Asn Ser Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6490

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6490

Ala Gln Pro Met Ala Ala Ala Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6491

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6491

Ala Gln Val Thr Thr Gly Pro Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6492

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6492

Ala Gln Val Val Ser Pro Leu Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6493

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6493

Ala Gln Val Thr Gly Ser Val Gln Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6494

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6494

Ala Gln Gly Gly Thr Thr Val Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6495

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6495

Ala Gln Asn Ser Ala Gln Ile Asn Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6496

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6496

Ala Gln Pro Gly Thr Gln Lys Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6497

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6497

Ala Gln Gly Lys Ala Ser His Tyr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6498

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6498

Ala Gln Tyr Asn Ser Val Pro Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6499

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6499

Ala Gln Val Tyr Glu Arg Val Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 6500

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6500

Ala Gln Asp Val Asn Asn Arg Ser Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6501

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6501

Ala Gln Pro His Ala Val Ser Met Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6502

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6502

Ala Gln Gly Met Pro Ala Pro Leu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6503

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6503

Ala Gln Gln Leu Gln Ile Asn Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6504

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6504

Ala Gln Thr Met Asp Leu Ser Pro Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6505

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6505

Ala Gln Thr Thr Asp Leu His Ala Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6506

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6506

Ala Gln His His Thr Thr Gln Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6507

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6507

Ala Gln Pro Ser Ser Asn Ser Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6508

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6508

Ala Gln Thr Arg Tyr Asn Val Asp Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6509

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6509

Ala Gln Ser Val Val Ser Leu Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6510

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6510

Ala Gln Glu Lys Val Asp Gln Leu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6511

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6511

Ala Gln Ser Asp Ser Arg Gln Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6512

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6512

Ala Gln Thr Tyr Pro Ala Thr Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6513

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6513

Ala Gln Ser Met Asn Val Gly Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6514

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6514

Ala Gln Leu Glu Ser Ser Asn Ala Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6515

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6515

Ala Gln Ser Pro Thr Asn His Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6516

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6516

Ala Gln Ala His Glu Gly Met Val Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6517

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6517

Ala Gln Val Asp Thr Leu Leu Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6518

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6518

Ala Gln Thr Ala Gly Gln Leu Thr Trp Ala Gln

1 5 10

<210> 6519

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6519

Ala Gln Met Gly Met Asp Gly Gln Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6520

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6520

Ala Gln Glu Leu Glu Asn Gly Arg Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6521

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6521

Ala Gln Leu Asp Leu Ser Val Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6522

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6522

Ala Gln Ser Gln His Pro Asn Met Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6523

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6523

Ala Gln Tyr His Glu Val Ser Glu His Ala Gln

1 5 10

<210> 6524

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6524

Ala Gln Met Arg Ser Pro Pro Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6525

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6525

Ala Gln Gly Ser Gly Ser Ser Thr Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6526

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6526

Ala Gln Gly Gly Asp Ala Gly Arg Trp Ala Gln

1 5 10

<210> 6527

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6527

Ala Gln Lys Ala Glu Ala Met Val Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6528

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6528

Ala Gln Ala Asn Lys Asp Leu Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6529

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6529

Ala Gln Thr Ser Ser Glu Asn Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6530

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6530

Ala Gln Gly Pro Asp Arg Thr Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6531

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6531

Ala Gln Gly Ser Thr Val Val His Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6532

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6532

Ala Gln Thr Ala Val Val Val Pro Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6533

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6533

Ala Gln Ala Val Asn Ile Ala Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6534

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6534

Ala Gln Leu Leu Ser Gln Ser Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6535

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6535

Ala Gln His Thr Gly Glu Gly Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6536

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6536

Ala Gln Ser Asn Gly Asn Asn Ile Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6537

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6537

Ala Gln Glu Val Thr Leu Met His Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6538

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6538

Ala Gln Leu Thr Thr Thr Gly Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6539

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6539

Ala Gln Asp Ile Ser Gly Lys Ile Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6540

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6540

Ala Gln Ile Ser Pro Asn Val Tyr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6541

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6541

Ala Gln Tyr Asn Lys Leu Val Asp Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6542

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6542

Ala Gln Phe His Thr His Pro Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6543

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6543

Ala Gln Pro Thr Leu Glu Ala Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6544

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6544

Ala Gln Glu Leu Gly Arg Asn Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6545

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6545

Ala Gln Val Asp Lys Val Glu Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6546

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6546

Ala Gln Thr Thr Thr Met Thr Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6547

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6547

Ala Gln Leu Gln Gln Ile Pro Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6548

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6548

Ala Gln Thr Asp Ser Asn Ser Leu Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6549

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6549

Ala Gln Asp Asp Arg Ser Val Arg Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 6550

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6550

Ala Gln Leu Ala Thr Gln Asn Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6551

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6551

Ala Gln Val Gly Thr His Ile His Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6552

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6552

Ala Gln Ser Glu Arg Ser Ser Val Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6553

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6553

Ala Gln Gly Tyr Ala His Ser Met Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6554

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6554

Ala Gln Pro Leu Ser Gly Gly Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6555

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6555

Ala Gln Leu Thr Tyr Val Ala Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6556

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6556

Ala Gln Val Asp Lys Thr Leu Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6557

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6557

Ala Gln Pro Asn Leu Val Gly Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6558

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6558

Ala Gln Thr Lys Ile Asp Thr Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6559

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6559

Ala Gln Ser Gly Gly Thr Gln Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6560

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6560

Ala Gln His Ser Thr Pro Leu Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6561

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6561

Ala Gln His Ser Gly Thr Asn Leu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6562

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6562

Ala Gln Ala Gln Pro Arg Leu Val Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6563

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6563

Ala Gln Pro Leu Gly Ala His Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6564

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6564

Ala Gln Ile Ser Asp Ala Ser Val Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6565

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6565

Ala Gln Met Ser Val Gly Val Lys Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6566

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6566

Ala Gln Asn Ile Ala Glu Gly Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6567

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6567

Ala Gln Ser Ser Asn Ser Asp Gly Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6568

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6568

Ala Gln Val Gly Gln Thr Thr Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6569

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6569

Ala Gln Glu Ser Lys Arg Pro Phe Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6570

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6570

Ala Gln Ser Gln Glu Asn Ser Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6571

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6571

Ala Gln Asn Thr Gly Thr Asp His Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6572

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6572

Ala Gln Gly Asn Trp Val Lys Asp Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6573

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6573

Ala Gln Arg Leu Thr Glu Thr Val Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6574

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6574

Ala Gln Gly Glu Ile Gly Val Leu Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6575

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6575

Ala Gln Leu Ala Pro Glu Pro Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6576

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6576

Ala Gln Asn Lys Leu Pro Pro Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6577

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6577

Ala Gln Asn Ile Gly Thr Arg Asp Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6578

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6578

Ala Gln Thr Val Arg Glu Leu Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6579

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6579

Ala Gln Glu Asn His Gly Thr Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6580

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6580

Ala Gln His Thr Asp Arg Asn Tyr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6581

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6581

Ala Gln Thr Val Gly Pro Thr Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 6582

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6582

Ala Gln Gly Leu Val Lys Asp His Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6583

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6583

Ala Gln Ile Asn Ala Leu Thr Asn Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6584

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6584

Ala Gln Pro Leu Asp Ser Asn Arg Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6585

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6585

Ala Gln Leu Lys Val Thr Lys Ile Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6586

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6586

Ala Gln His Asn Ser Asn Pro Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6587

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6587

Ala Gln Thr Thr Val Ile Leu Lys Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6588

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6588

Ala Gln Leu Gly Lys Gly Met Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6589

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6589

Ala Gln Phe Ser Ile Ser Asp Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6590

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6590

Ala Gln Ser Thr Asp Thr His Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6591

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6591

Ala Gln Leu Asn Ala Val Lys Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6592

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6592

Ala Gln Arg Ser Thr Pro Asn Thr Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6593

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6593

Ala Gln Leu Ser Ile Lys Leu Gln Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6594

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6594

Ala Gln Ser Leu Ala Ile Thr Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6595

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6595

Ala Gln Arg Gln Asp Ile Thr Ile Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6596

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6596

Ala Gln Gly Asn Ala Thr Pro Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6597

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6597

Ala Gln Ser Leu Val Gly Thr Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6598

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6598

Ala Gln Trp Gln Thr Gln Asp Lys Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 6599

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6599

Ala Gln Thr Pro Asn Val Pro Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6600

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6600

Ala Gln Ile Asn Thr Ile Ser Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6601

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6601

Ala Gln Pro Leu Gly Thr Ser Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6602

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6602

Ala Gln Ser Gln Val Asn Gly Gly Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6603

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6603

Ala Gln Pro Ile Asn Asp Lys Val Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6604

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6604

Ala Gln Asn Val Ser Ser Ser Ile Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6605

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6605

Ala Gln Gln Ala Asn Trp Thr Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6606

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6606

Ala Gln Arg Pro Glu Asn His Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6607

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6607

Ala Gln Thr Arg Asn Leu Asp Val His Ala Gln

1 5 10

<210> 6608

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6608

Ala Gln Ile Asn Ser Ser Phe Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6609

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6609

Ala Gln Ser Ile Gln Gly Ser Gln Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6610

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6610

Ala Gln Val Val Ala Val Gly Gln Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 6611

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6611

Ala Gln Val Asn Lys Val Arg Asp Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6612

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6612

Ala Gln Lys Pro Asn Ala Gln Ile Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6613

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6613

Ala Gln Met Ser Ile Gly Thr Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6614

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6614

Ala Gln Gly Leu Gln Ala Thr Tyr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6615

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6615

Ala Gln Gln Thr Leu Ser Ala Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6616

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6616

Ala Gln Asp Pro Pro Asn Lys Phe Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6617

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6617

Ala Gln Arg Ile Ser Thr Leu Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6618

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6618

Ala Gln Asn Ser Asp Arg Ser Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6619

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6619

Ala Gln Tyr Asn Leu Arg Leu Gly Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6620

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6620

Ala Gln Val Gln Asp Arg Ala Met Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6621

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6621

Ala Gln Ser Ser Ser Thr Leu Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6622

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6622

Ala Gln Gly Gly Val Gln Thr Asp Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6623

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6623

Ala Gln Leu Leu Ser Asn Asn Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6624

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6624

Ala Gln Tyr His Ala Ala Gln Ala Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6625

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6625

Ala Gln Met Ser Gly Val Gly Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6626

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6626

Ala Gln Leu Thr Gly Gln Val Leu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6627

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6627

Ala Gln Ala Val Asn Arg Leu Pro Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6628

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6628

Ala Gln Ser Ser Gln Met Pro Leu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6629

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6629

Ala Gln Ser Ser Asn Ile Ala Asp Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6630

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6630

Ala Gln Val Val Thr Pro Gln Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6631

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6631

Ala Gln Asp Ser Lys Lys Met Ser Trp Ala Gln

1 5 10

<210> 6632

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6632

Ala Gln Glu Thr Tyr Lys Thr Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6633

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6633

Ala Gln Leu Thr Met Gly Asn Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6634

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6634

Ala Gln Phe Lys Val Ser Ile Gln Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6635

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6635

Ala Gln Asp Gly His Ala His Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6636

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6636

Ala Gln Thr Ala Val Ser Leu Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6637

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6637

Ala Gln Ser Gln Asn Gln Met Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6638

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6638

Ala Gln Gln Ser Val Thr Thr Gln His Ala Gln

1 5 10

<210> 6639

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6639

Ala Gln Leu Ser Thr Ala Leu Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6640

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6640

Ala Gln Leu Ala Asn Ala Val Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6641

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6641

Ala Gln Thr Gly His Val His Glu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6642

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6642

Ala Gln Ser Ile Ser Asp Thr Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6643

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6643

Ala Gln Pro Val Val Gln Ser Val Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6644

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6644

Ala Gln Gln His Leu Ser Thr Val Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6645

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6645

Ala Gln Leu Ser His Asn Thr Thr His Ala Gln

1 5 10

<210> 6646

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6646

Ala Gln Pro Ser Asn Phe Ser Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6647

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6647

Ala Gln Phe Asp Lys Ser Val Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6648

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6648

Ala Gln Thr Gln Ala Thr Glu Lys Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6649

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6649

Ala Gln Leu Ser Ala Lys Ala Ser Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6650

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6650

Ala Gln Ser Val Gln Pro Ala Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6651

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6651

Ala Gln Ser Leu Met His Gly Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6652

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6652

Ala Gln Pro Thr Ile Arg Thr Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6653

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6653

Ala Gln Asn Asp Ser Leu Lys Val Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6654

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6654

Ala Gln Ser Thr Gln Pro Val Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6655

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6655

Ala Gln Ser Ser Asp Lys His Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6656

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6656

Ala Gln Phe Leu Glu Asn Ala Lys Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6657

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6657

Ala Gln Val Ser Thr Gly Thr Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6658

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6658

Ala Gln Arg Asp Ala Ser Leu Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6659

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6659

Ala Gln Lys Gly Thr Glu Ile Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6660

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6660

Ala Gln Ile Met Asn Gln Leu Gly Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6661

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6661

Ala Gln Pro Ser Asn Asn Thr Gln Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6662

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6662

Ala Gln Thr Ser Ser Ser Ile Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6663

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6663

Ala Gln Arg Asp Leu Asn Ala His Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6664

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6664

Ala Gln Thr Gly Phe Ala Arg Ser Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 6665

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6665

Ala Gln Leu Glu Gln Leu Ala Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6666

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6666

Ala Gln Ala Ala Met Gln Ser Glu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6667

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6667

Ala Gln Gln Leu Asn Tyr Glu Ala His Ala Gln

1 5 10

<210> 6668

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6668

Ala Gln Ala Asn Pro Gly Ser Leu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6669

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6669

Ala Gln Leu Arg His Ile Glu Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6670

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6670

Ala Gln Leu Pro Gln Asn Ser Ala Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6671

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6671

Ala Gln Ala Gly Ser Pro Ile Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6672

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6672

Ala Gln Arg Ala Thr Asn Val Glu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6673

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6673

Ala Gln Pro Gln Pro Asn Asn Arg Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6674

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6674

Ala Gln Ser Pro Ser Thr Pro His Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6675

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6675

Ala Gln Leu Ser Asn Thr Leu Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6676

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6676

Ala Gln Ser Asn Arg Glu Gly Leu Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6677

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6677

Ala Gln Val Ala His Ser Pro Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6678

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6678

Ala Gln Ser Val Lys Asn Met Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6679

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6679

Ala Gln Gly Leu Ser Thr Gly Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6680

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6680

Ala Gln Ala Met Ser Arg Pro Glu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6681

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6681

Ala Gln Ala Met Asp Leu Lys Leu Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6682

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6682

Ala Gln Ala Val Ala Gly Pro Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6683

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6683

Ala Gln Pro Thr Leu Gly Ser Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6684

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6684

Ala Gln Ser Glu Asn Pro Ile Asp Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6685

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6685

Ala Gln Thr Asn Asn Ser Pro Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6686

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6686

Ala Gln His Thr Ser Pro Thr Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6687

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6687

Ala Gln Asn Asn Ala Gly Ile Ser Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6688

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6688

Ala Gln Leu Val Tyr Ser Asn Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6689

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6689

Ala Gln Pro Ala Ser Gln Ser Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6690

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6690

Ala Gln Val Gln Val Gly His Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6691

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6691

Ala Gln Asp Ala Ser Tyr Thr Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6692

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6692

Ala Gln Gly Ile Thr Thr Glu Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6693

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6693

Ala Gln Ser Met Pro Gln His Ala Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6694

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6694

Ala Gln Leu Gln Ser Ala Leu Gln Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6695

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6695

Ala Gln Lys Ser Ser Asp Ser Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6696

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6696

Ala Gln Lys Ser Pro Ala Gly Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6697

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6697

Ala Gln Thr Glu Met Ser Leu Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6698

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6698

Ala Gln Leu Asn Ser Glu Thr Phe Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6699

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6699

Ala Gln Ser Ala Leu Ser Gln Gln Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6700

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6700

Ala Gln Arg Ser Val Ala Asn Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6701

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6701

Ala Gln Ser Ser Gly Ala Thr Leu Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6702

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6702

Ala Gln Leu Asn Gly Gly Ala Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6703

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6703

Ala Gln Ser His Gln Thr Thr Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6704

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6704

Ala Gln Tyr Glu Asn Ser Ser Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6705

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6705

Ala Gln Ile Gln Thr Ser Ala His Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6706

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6706

Ala Gln Arg Glu Ile Gln Lys Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6707

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6707

Ala Gln Ser Ala Gly Met Ile Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 6708

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6708

Ala Gln Met Arg Ser Thr Asp Ser Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 6709

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6709

Ala Gln Ser His Pro Gln Gly Asp Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6710

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6710

Ala Gln Leu Ile Asp Thr Lys Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6711

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6711

Ala Gln Thr His Leu Lys Asp Leu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6712

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6712

Ala Gln Gly Thr Ser Ser Val Leu Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6713

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6713

Ala Gln Pro Leu Val Thr Asn Glu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6714

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6714

Ala Gln Arg Asp Leu Ser His Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6715

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6715

Ala Gln Tyr Asp Asn Glu His Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6716

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6716

Ala Gln Val Gly Ser His Thr Met Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6717

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6717

Ala Gln Gly His Thr Ser Val Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6718

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6718

Ala Gln Leu Asp Leu Lys Asn Gln Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6719

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6719

Ala Gln Pro Val Ala Lys Ile Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6720

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6720

Ala Gln Leu Glu Asn Gly Lys Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6721

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6721

Ala Gln Asp Leu Ala Arg Ala Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6722

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6722

Ala Gln Lys Val Arg Asp Asp Lys Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6723

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6723

Ala Gln His Asn Val Ala Ile Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6724

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6724

Ala Gln Thr Phe Asn Ala Thr Tyr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6725

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6725

Ala Gln Gly Ser Gln Gly Thr Ile Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6726

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6726

Ala Gln Ser Leu Gly His Asp Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6727

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6727

Ala Gln Arg Ser Gly Pro Asp Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6728

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6728

Ala Gln Ala Met Asn Leu Gln Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6729

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6729

Ala Gln Leu Arg Ala Gly Pro Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6730

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6730

Ala Gln Thr Val Met Ser Ser Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6731

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6731

Ala Gln His Thr Ser Pro Val Gly Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6732

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6732

Ala Gln Trp Thr Ser Gln Ala Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6733

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6733

Ala Gln Thr Met Asn Ser Val Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6734

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6734

Ala Gln Val Asn Gly Gly Met Val Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6735

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6735

Ala Gln Thr Asn Ala Arg Met Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6736

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6736

Ala Gln Ile Ser Gly Asn Met His Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6737

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6737

Ala Gln Ser Val Gly Gly Ala Ser Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 6738

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6738

Ala Gln Thr Ser Glu Ser Pro Tyr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6739

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6739

Ala Gln Gly His Phe Gly Thr Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6740

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6740

Ala Gln Leu Thr Thr Ser Gly Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6741

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6741

Ala Gln Arg Ile Asn Ser Ser Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6742

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6742

Ala Gln Leu Thr Gly Ser Ser Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6743

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6743

Ala Gln Pro Ile Arg Gly Thr Ile Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6744

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6744

Ala Gln Thr Thr Ser Asn Asn Thr His Ala Gln

1 5 10

<210> 6745

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6745

Ala Gln Gln Val Thr Thr Asn Leu Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6746

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6746

Ala Gln Ala Leu Asp Ser Ser Glu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6747

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6747

Ala Gln Tyr Pro Lys Asn Val Ala Trp Ala Gln

1 5 10

<210> 6748

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6748

Ala Gln Ser Thr Thr Gly Arg Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6749

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6749

Ala Gln Thr Lys Leu Met Gln Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6750

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6750

Ala Gln Asn Ser Tyr Gly Asp Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6751

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6751

Ala Gln Glu His Thr Gly Ala Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6752

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6752

Ala Gln Leu Arg Thr Glu Thr Ala Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6753

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6753

Ala Gln Val Leu Asp Val Asn Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6754

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6754

Ala Gln Asp Arg Gly Asn Asp Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6755

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6755

Ala Gln Ser Phe Thr Asn Ser Thr His Ala Gln

1 5 10

<210> 6756

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6756

Ala Gln Leu Ala His Ser Ser Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6757

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6757

Ala Gln Arg Leu Val Asp Pro Ile Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6758

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6758

Ala Gln Trp Gly Asp Lys Glu Thr Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 6759

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6759

Ala Gln Arg Asp Asp Asn Leu Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6760

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6760

Ala Gln Ser Lys Gln Leu Ile Asp Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6761

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6761

Ala Gln Phe Gln Asn Gln Thr Val Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6762

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6762

Ala Gln Val Phe Ser Ser Asp Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6763

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6763

Ala Gln Tyr Ala Gln Gln Leu Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6764

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6764

Ala Gln Ile Val Thr Gly Thr Thr Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6765

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6765

Ala Gln Ser Lys Ile Thr Glu Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6766

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6766

Ala Gln Ile Ala Gly Gln Val Gly Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6767

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6767

Ala Gln Gly Tyr Ser Gln Thr Pro His Ala Gln

1 5 10

<210> 6768

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6768

Ala Gln Gly Leu Ala Leu Arg Pro Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6769

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6769

Ala Gln Asn Ala Val Ser Asn Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6770

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6770

Ala Gln Asn Gln Ser Thr Leu Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6771

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6771

Ala Gln Thr Ser Ile Pro Asp Lys Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6772

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6772

Ala Gln Gly Ser Ser Thr Ala Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6773

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6773

Ala Gln Arg Ile Ile Gly Thr Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6774

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6774

Ala Gln Ser Leu Asn Gly Gly Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6775

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6775

Ala Gln Pro Val Lys Thr Val Gly Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6776

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6776

Ala Gln Gln Pro Ser Ala Ile Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6777

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6777

Ala Gln Phe Ala Ser Ser Val Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6778

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6778

Ala Gln Glu Gly Asn Leu Thr Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6779

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6779

Ala Gln Leu Gly Thr Arg Thr Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6780

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6780

Ala Gln Thr His Arg Asp Phe Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6781

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6781

Ala Gln Thr Gly Val Ser Thr Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6782

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6782

Ala Gln Val Pro Asn Asn Ser Gln Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6783

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6783

Ala Gln Met Pro Ser Gly Val Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6784

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6784

Ala Gln Asn Ala Leu Pro Arg Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6785

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6785

Ala Gln Arg Thr Asp His Ser Gln Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6786

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6786

Ala Gln Gln Thr Leu Lys Ser Ala Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6787

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6787

Ala Gln Lys Glu Glu His Thr Arg Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6788

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6788

Ala Gln Leu Pro Ala Ala Pro Arg Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6789

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6789

Ala Gln Leu Asp Lys Ala His Phe Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6790

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6790

Ala Gln His Ala Ile Asp Ala Val Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6791

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6791

Ala Gln Pro Ile Leu Thr Ala Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6792

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6792

Ala Gln Thr Val Gln Gln Ser Ala Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6793

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6793

Ala Gln Ser Glu Gly Ile Gly Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6794

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6794

Ala Gln Met Gly Ser Thr Val Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6795

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6795

Ala Gln Ser Val Arg Ser Pro Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6796

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6796

Ala Gln Thr Thr Arg Asp Val Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6797

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6797

Ala Gln Ser Ala Ala Gly Lys Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6798

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6798

Ala Gln Thr Thr Pro Ser Thr Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6799

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6799

Ala Gln Val Ala Leu Thr Thr Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6800

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6800

Ala Gln Asp Thr Gln Leu Pro Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6801

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6801

Ala Gln Asn Ala Val Ser Asn Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6802

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6802

Ala Gln Met Glu Leu Lys Tyr Gln Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6803

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6803

Ala Gln Asn Ser Leu His Gly His Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6804

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6804

Ala Gln His Ser Pro Ser Leu Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6805

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6805

Ala Gln Gly Ser Val Thr Ser Leu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6806

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6806

Ala Gln Arg Glu Val Ser Ser Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6807

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6807

Ala Gln Gly Lys Ala Thr Leu Asp Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6808

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6808

Ala Gln Leu Asn Pro Pro Leu Asn Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6809

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6809

Ala Gln Thr Ser Gly His Ser Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6810

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6810

Ala Gln Asp Val Thr Ala Thr Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6811

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6811

Ala Gln His Gln Asn Thr Gly Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6812

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6812

Ala Gln Asp Leu Thr His Thr Phe Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6813

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6813

Ala Gln Tyr Leu Pro Asn Lys Glu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6814

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6814

Ala Gln Val Asp Gly Thr Tyr Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6815

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6815

Ala Gln Tyr Leu Thr Ser Gly Gly Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6816

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6816

Ala Gln Ala Ser Leu Val Val Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6817

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6817

Ala Gln Phe Asp Ala Asn Ser Lys Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6818

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6818

Ala Gln Tyr Leu Thr Glu Ser Pro Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6819

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6819

Ala Gln Arg Asn Ala Ser Leu Asp Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6820

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6820

Ala Gln Ala Gly Ser Pro Arg Ala Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6821

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6821

Ala Gln Arg Val Glu Lys Leu Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6822

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6822

Ala Gln Arg Thr Thr Gly Asp Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6823

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6823

Ala Gln Pro Ala Ala Thr Ser Gly Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 6824

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6824

Ala Gln Ile Leu Thr Ile His Thr His Ala Gln

1 5 10

<210> 6825

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6825

Ala Gln Ile Asn Ile Ser Ser His Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6826

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6826

Ala Gln Pro Ser Gly Ser Ala Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6827

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6827

Ala Gln Ser Thr Met Pro Thr Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6828

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6828

Ala Gln Leu Tyr Ala Ser Ala Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6829

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6829

Ala Gln Leu Val Gln Thr Gly Leu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6830

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6830

Ala Gln Val Ser Leu Asn Arg Thr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 6831

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6831

Ala Gln Gly Gly Arg Glu Ser Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6832

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6832

Ala Gln Val Glu Arg Met Pro Arg Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6833

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6833

Ala Gln Pro Gln Ile Gly Ile Pro Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6834

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6834

Ala Gln Ala Thr Val Lys Ser Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6835

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6835

Ala Gln Gly Gly Asn Val Gln Ala Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6836

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6836

Ala Gln Thr Ile Val Asn Val Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6837

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6837

Ala Gln Gly Asp Pro Ala Gln Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6838

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6838

Ala Gln Thr Lys Asn Thr Asp Phe Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6839

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6839

Ala Gln Arg His Thr Asp Ala Val Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6840

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6840

Ala Gln Ser Val His Thr Ala Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6841

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6841

Ala Gln Ile Thr Ser Leu Met Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6842

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6842

Ala Gln Asp His Asn Gln Ile Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6843

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6843

Ala Gln Gln Gly Gln Ser Ala Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6844

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6844

Ala Gln Asn Asn Ala Thr Arg Tyr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6845

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6845

Ala Gln Ser Arg Asn Thr Thr Ser Trp Ala Gln

1 5 10

<210> 6846

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6846

Ala Gln Pro Ser Asn Ser Lys Leu Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6847

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6847

Ala Gln Lys Thr Val Ser Leu Asn Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6848

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6848

Ala Gln Thr Pro Leu Pro Arg Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6849

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6849

Ala Gln Gln Thr Ile Ala Ser Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6850

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6850

Ala Gln Pro Ile Met Lys Thr Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6851

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6851

Ala Gln Ser Ala Val Ile Gln Gly His Ala Gln

1 5 10

<210> 6852

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6852

Ala Gln Pro Leu Tyr Gly Thr Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6853

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6853

Ala Gln Ala Asn Arg Thr Lys Asp Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6854

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6854

Ala Gln Val Ile Pro Gln Thr Glu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6855

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6855

Ala Gln Ile Val Asn Gly His Ile Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6856

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6856

Ala Gln Ser Arg Pro Asn Glu Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6857

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6857

Ala Gln Gly Tyr Thr Pro Val Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6858

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6858

Ala Gln Pro Leu Gln Arg Thr Ile Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6859

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6859

Ala Gln Ser Thr Gly Ser Pro Thr Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6860

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6860

Ala Gln Ser Thr Met Thr Gly Leu Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 6861

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6861

Ala Gln Ile His Ala Val Gly Ala Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 6862

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6862

Ala Gln Thr Ala Asn Val Ser Glu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6863

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6863

Ala Gln Asn Lys Ser Asp Met Pro His Ala Gln

1 5 10

<210> 6864

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6864

Ala Gln Ser Asn Tyr Asn Thr His Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6865

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6865

Ala Gln Pro Ser Val Thr His His Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6866

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6866

Ala Gln Asn Leu Ser Leu Lys Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6867

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6867

Ala Gln Leu Tyr Ser Asn Lys Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6868

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6868

Ala Gln Asp Asn Gly Leu Val His Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6869

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6869

Ala Gln Met Gly Thr Leu Thr Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6870

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6870

Ala Gln Thr Phe Gln Ser Asp Glu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6871

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6871

Ala Gln Ile Val Thr Gly Ala Tyr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6872

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6872

Ala Gln Thr Val Val Asn Pro Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6873

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6873

Ala Gln Asp Asn Asn Val Arg His Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6874

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6874

Ala Gln Asp Arg Ser Gln Asn Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6875

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6875

Ala Gln His Pro Pro Val Pro Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6876

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6876

Ala Gln Lys Tyr Ile Thr Pro Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6877

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6877

Ala Gln Val Pro Asp Lys Gln Ala Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6878

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6878

Ala Gln Val Ile Ala Lys Thr Glu Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6879

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6879

Ala Gln Gly Gly Gln Ala Glu Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6880

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6880

Ala Gln Gln Pro Val Leu Asn Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6881

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6881

Ala Gln Asn Asn Thr Asn Glu Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6882

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6882

Ala Gln Thr Asn Leu Ser Leu Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6883

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6883

Ala Gln Gly Gln Ser Ser Asp Glu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6884

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6884

Ala Gln Thr His Ala Thr Thr Phe Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6885

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6885

Ala Gln Thr Ser Gln Gln Asp Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6886

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6886

Ala Gln Ala Leu Leu His Arg Glu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6887

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6887

Ala Gln Asn Pro Ser Val Thr Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6888

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6888

Ala Gln Val Ala Asn Leu Asn Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6889

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6889

Ala Gln Thr Met Leu Leu Glu Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6890

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6890

Ala Gln Asn Val Arg Pro Ser Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6891

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6891

Ala Gln Val Ile His Ile Thr Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6892

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6892

Ala Gln Ser Asn Pro Ser Leu Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6893

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6893

Ala Gln Tyr Gln Asp Asn Ala Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6894

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6894

Ala Gln Ile Gln Gly Leu Thr Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 6895

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6895

Ala Gln Thr Tyr Asn Gln Gly Lys Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6896

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6896

Ala Gln Ala Pro Thr Gly Met Lys His Ala Gln

1 5 10

<210> 6897

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6897

Ala Gln Met Ser Gly Glu Leu Ile Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6898

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6898

Ala Gln Arg Leu Asn Thr Ser His Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6899

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6899

Ala Gln Ala Thr Ala Leu Ala Ala Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6900

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6900

Ala Gln Pro Ile Ser Gly Leu Lys Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6901

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6901

Ala Gln Glu Arg Thr Phe Asn Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6902

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6902

Ala Gln Met Ser Asn Ile Ser Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6903

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6903

Ala Gln Arg Asp Ala Arg Leu Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6904

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6904

Ala Gln Asp His Tyr Val Asn Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6905

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6905

Ala Gln Pro Gly Thr Ala Val Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6906

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6906

Ala Gln Asp Lys Gly Thr Leu Ser Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 6907

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6907

Ala Gln Ser Ile Pro Arg Thr Asp Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6908

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6908

Ala Gln Glu Pro Val Leu His Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6909

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6909

Ala Gln Asp Arg Ala Ile Leu Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6910

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6910

Ala Gln Glu Ile Gly Ser Leu Arg Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6911

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6911

Ala Gln Ala Phe Val Gly Ala Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6912

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6912

Ala Gln Phe Val Gln Asn Lys Asp Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6913

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6913

Ala Gln Arg Asp Lys Ala Gly Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6914

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6914

Ala Gln Leu Leu Pro Thr Ala His Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6915

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6915

Ala Gln Pro Asn Gly Ile Thr Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6916

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6916

Ala Gln Ser Gly Val Thr Lys Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6917

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6917

Ala Gln Met Asn Ser Thr Ile Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 6918

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6918

Ala Gln Tyr Lys Ser Asp Val Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6919

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6919

Ala Gln Pro Val Thr Arg Val Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6920

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6920

Ala Gln Arg Asn Val Ala Asp Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6921

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6921

Ala Gln Ala Ser Ala Thr Ser Ile Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6922

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6922

Ala Gln Ser Gly Thr Ala Ser Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6923

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6923

Ala Gln Arg Gln Asp Leu Gly Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6924

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6924

Ala Gln Asp Ser Ala Leu Ile Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6925

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6925

Ala Gln Asn Asn Gly Leu Asn Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6926

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6926

Ala Gln Ala Ala Ser Glu Arg Arg Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6927

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6927

Ala Gln Arg His Ser Ala Val Pro Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 6928

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6928

Ala Gln Tyr Gln Asp Thr Lys Gly Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6929

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6929

Ala Gln Lys Thr Gly Ser Leu Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6930

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6930

Ala Gln Ile Ala Arg Ser Val Ser Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6931

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6931

Ala Gln Pro Ser Ser Lys Leu Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6932

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6932

Ala Gln Ile Asn Asp Gln Arg Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6933

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6933

Ala Gln Gly Ile Ser Glu Lys Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6934

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6934

Ala Gln Thr Ser Ala Tyr Thr Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6935

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6935

Ala Gln Gly Thr Leu His Ser Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6936

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6936

Ala Gln Ala Pro Arg Asp Ala Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6937

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6937

Ala Gln Asn Asn Thr Ala Met Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6938

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6938

Ala Gln Ile Leu Arg Val Ala Asp Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6939

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6939

Ala Gln Ala Ser Val Ala Gly Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6940

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6940

Ala Gln Ser Val Leu Asn Gly Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6941

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6941

Ala Gln Ile Tyr Gln Thr Ala Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6942

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6942

Ala Gln Thr Ser Glu Arg Thr Gln Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 6943

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6943

Ala Gln Ser Thr Val Ala Leu Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6944

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6944

Ala Gln Gly Asn Thr Val Ile Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6945

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6945

Ala Gln Pro Leu Gly Ser Ile Val Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6946

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6946

Ala Gln Leu Arg Met Ser Asp Ser Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 6947

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6947

Ala Gln Thr Ser Glu Ser Gly Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6948

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6948

Ala Gln Glu Ala Thr Arg Pro Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6949

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6949

Ala Gln Asn Lys Gln Phe Leu Ala Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6950

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6950

Ala Gln Leu Thr Ile Arg Asp Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6951

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6951

Ala Gln Val Gly Ser Gly Leu Ala Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6952

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6952

Ala Gln Gln Asn Ala Thr Asn Leu Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6953

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6953

Ala Gln Ser Met Tyr Ala Gly His Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 6954

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6954

Ala Gln Met Val Asn Ser Glu Lys Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6955

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6955

Ala Gln Arg Met Ser Met Arg Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 6956

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6956

Ala Gln Ser Ser Ser Gly Leu Asn Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6957

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6957

Ala Gln Gln Ser Ser Val Leu Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6958

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6958

Ala Gln Thr Pro Asn Leu Glu Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6959

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6959

Ala Gln Met Arg Gly Thr Leu Ser Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6960

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6960

Ala Gln Asp His Gly Ala Ser Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6961

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6961

Ala Gln Ser His Leu Ala Thr Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6962

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6962

Ala Gln Ser Asp Ala Ser His Arg Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 6963

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6963

Ala Gln Thr Gly Thr Glu Arg Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6964

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6964

Ala Gln Ala Val Gly His Val Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6965

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6965

Ala Gln Gln Ser Gln Gln Gly Val Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6966

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6966

Ala Gln Asn Leu Thr Ile Ser Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6967

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6967

Ala Gln Val Ser Ser Gly Tyr Glu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6968

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6968

Ala Gln Ser Ile Ser Pro Pro Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6969

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6969

Ala Gln Pro Tyr Asn Gln Ser Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6970

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6970

Ala Gln Thr Met Ser Tyr Asn Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6971

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6971

Ala Gln Gly Ala Tyr Asn Thr Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6972

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6972

Ala Gln Ser Lys Val Thr Pro Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6973

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6973

Ala Gln Arg Phe Arg Glu Asn Asp His Ala Gln

1 5 10

<210> 6974

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6974

Ala Gln Leu Asp Thr Gly Gln Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6975

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6975

Ala Gln Leu Pro Ser Thr Pro Gln Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6976

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6976

Ala Gln Thr Leu Ser Tyr Val Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6977

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6977

Ala Gln Ser Thr Thr Val Leu Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6978

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6978

Ala Gln Met Thr His Thr Leu Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6979

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6979

Ala Gln Ser Thr Tyr Asn Lys Thr Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 6980

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6980

Ala Gln Ala Thr Ser Ser His Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6981

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6981

Ala Gln Arg Leu Asn Gly Thr Glu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6982

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6982

Ala Gln Gln Ala Asn Thr Pro Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6983

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6983

Ala Gln Ser Ala Val Ile Asn Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6984

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6984

Ala Gln Asn His Gly Asn Glu Val Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 6985

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6985

Ala Gln Lys His Leu Ser His Asp Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 6986

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6986

Ala Gln Leu Gly Ser Gly Arg Met Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 6987

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6987

Ala Gln Ser Asn Gln Ile Thr Ile Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6988

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6988

Ala Gln Gly Gly Arg Gly Val Gly Met Ala Gln

1 5 10

<210> 6989

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6989

Ala Gln Phe Val Thr Glu Ser Lys Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6990

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6990

Ala Gln Asn Ser Val His Asn Asp Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 6991

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6991

Ala Gln Ser Pro Gln Gln Ser Arg Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 6992

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6992

Ala Gln Thr Gln Pro Asn His Asp Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 6993

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6993

Ala Gln Thr Arg Leu Asn Glu Val Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6994

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6994

Ala Gln Thr Ala Gln Arg Thr Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 6995

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6995

Ala Gln Pro Gly Arg Ser Pro Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 6996

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6996

Ala Gln Ala Tyr Ser Val Val Arg Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 6997

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6997

Ala Gln Val Gly Pro Val Leu Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 6998

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6998

Ala Gln Thr Lys Met Gly Thr Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 6999

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 6999

Ala Gln Thr Thr Pro Asn Leu Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7000

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7000

Ala Gln Thr Ser Gly Thr Asp Gly Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7001

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7001

Ala Gln Pro Met Pro Asn Met Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7002

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7002

Ala Gln Ala Asp Ala Leu Ser Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7003

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7003

Ala Gln Leu Gln Thr Ser Ser His Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7004

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7004

Ala Gln Thr Ser Met Gln Gly Val Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7005

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7005

Ala Gln Gln Thr Thr Val Leu Asn Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7006

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7006

Ala Gln Ile Ile Pro Val Asn Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7007

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7007

Ala Gln Ile Ala Thr Val Thr Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7008

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7008

Ala Gln Leu Glu Thr Pro Gly Arg Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7009

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7009

Ala Gln Ile Ala Thr Ser Val Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7010

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7010

Ala Gln Val Arg Glu His Glu Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7011

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7011

Ala Gln Pro Leu Thr Asn Val Gln Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7012

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7012

Ala Gln Arg Asp Met Val Gln Thr Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7013

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7013

Ala Gln Arg Leu Gly Phe Ala Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7014

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7014

Ala Gln Met Ser Gln Val Thr Thr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 7015

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7015

Ala Gln Ser Val Leu Pro Asn Ala Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7016

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7016

Ala Gln Lys Phe Ser Pro Thr Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7017

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7017

Ala Gln Asn Ile Gly Asn Met Val Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7018

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7018

Ala Gln Ser Leu Leu Thr Val Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7019

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7019

Ala Gln Asn Ser Asn Pro Ser Met Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7020

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7020

Ala Gln Ile Thr Ala Ala Val Arg Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7021

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7021

Ala Gln Ala Tyr Thr Ser Asn Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7022

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7022

Ala Gln Asn Ser Val Gly Ser Met Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7023

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7023

Ala Gln Arg Leu Asp Thr Thr Trp Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7024

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7024

Ala Gln Ile Ala Glu Ala Gly Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7025

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7025

Ala Gln Ser Lys Thr Asn Leu Gln Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7026

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7026

Ala Gln Phe Ser Lys Asp Asp Ala Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7027

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7027

Ala Gln Leu Thr Ser His Ser Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7028

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7028

Ala Gln His Val Gln Leu Gln Tyr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7029

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7029

Ala Gln Asn His Asn Gln Pro Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7030

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7030

Ala Gln Thr Glu Gly Ala Arg Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7031

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7031

Ala Gln Asn Gln Ser Asp Ser Lys Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7032

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7032

Ala Gln Val Ser Leu Pro Leu Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7033

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7033

Ala Gln Asn Asn Thr Asn Leu Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7034

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7034

Ala Gln Tyr Ser Asn Ser Asn Asn His Ala Gln

1 5 10

<210> 7035

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7035

Ala Gln Gly Leu Glu Thr Arg Leu His Ala Gln

1 5 10

<210> 7036

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7036

Ala Gln Leu Thr Thr Thr Glu Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7037

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7037

Ala Gln Met Gly Ala Arg Met Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7038

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7038

Ala Gln Ser His Asp His Met Leu Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7039

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7039

Ala Gln Arg Thr Glu Gly Ser Asp Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7040

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7040

Ala Gln Asn Phe Gln Arg Asp Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7041

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7041

Ala Gln Leu Ser Asn Ile Asn Pro His Ala Gln

1 5 10

<210> 7042

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7042

Ala Gln Ser Ser Asn His Thr Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7043

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7043

Ala Gln Met His Val Asn Ala Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7044

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7044

Ala Gln Trp Asp Ser Leu Ala Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7045

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7045

Ala Gln Leu Asp Gly Ala His Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7046

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7046

Ala Gln Ser Ile Arg Ser Pro Pro Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7047

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7047

Ala Gln Asn Gly Thr Leu Lys Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7048

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7048

Ala Gln Phe Tyr Gln Glu Gln Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7049

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7049

Ala Gln Tyr Asp Gln Lys Ser Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7050

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7050

Ala Gln Leu Ser Thr Asn Arg Thr Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 7051

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7051

Ala Gln Lys Gln Thr Gln Asp Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7052

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7052

Ala Gln Tyr Glu Arg Gly Pro Gln Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7053

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7053

Ala Gln Thr His Ala Asn Ser Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7054

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7054

Ala Gln Ser Met Asn Thr Asn Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7055

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7055

Ala Gln Leu Asp Asn Glu Lys Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7056

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7056

Ala Gln Leu Gly Gln Leu Leu Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7057

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7057

Ala Gln Met Arg Met Pro Val Asn Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7058

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7058

Ala Gln Gly Thr Ser Asn Leu Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7059

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7059

Ala Gln Glu Gly Glu Met Lys Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7060

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7060

Ala Gln Gln Leu Gly His Asp Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7061

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7061

Ala Gln Leu Asp Asp Ser Ala Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7062

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7062

Ala Gln Thr Gly Ala Gly Asn Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7063

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7063

Ala Gln Asn Thr Gly Ala Ala Met Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7064

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7064

Ala Gln Met Gly Ala Asn Thr Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7065

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7065

Ala Gln Pro Ser Thr His Gly Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7066

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7066

Ala Gln Met Pro Gln Ser Gln Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7067

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7067

Ala Gln Ser Thr Gln Ala Arg Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7068

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7068

Ala Gln Ser Glu Tyr Leu Leu Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7069

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7069

Ala Gln Thr Thr Gly Pro Gly Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7070

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7070

Ala Gln Pro Gly Ser Ser Val Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7071

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7071

Ala Gln Tyr Phe Gly Ser Ala Gln Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 7072

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7072

Ala Gln Ala Val Ile Asn Asn Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7073

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7073

Ala Gln Val Ala Met Gln Asp Lys Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7074

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7074

Ala Gln Ala Asp Asn Met Asn Ile Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7075

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7075

Ala Gln Gly Arg Ala Thr Thr Asp Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7076

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7076

Ala Gln Met Asn Leu His Leu Lys Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7077

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7077

Ala Gln Ser Asn Gln Ile Arg Asp Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7078

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7078

Ala Gln Val Asn Gly Gln Ser Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7079

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7079

Ala Gln Ile Leu Pro Gln Leu Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7080

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7080

Ala Gln Val Gln Asp Ser Leu His Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 7081

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7081

Ala Gln Asp Val Ser Asn Arg Asn Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7082

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7082

Ala Gln Asp Ala Ser His Gly Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7083

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7083

Ala Gln Arg Ala Ser Ala His Pro Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7084

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7084

Ala Gln Pro Ser Leu Arg Ala Leu Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7085

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7085

Ala Gln Asp Lys Thr Pro Pro Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7086

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7086

Ala Gln Leu Asn Asp Val Thr Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7087

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7087

Ala Gln Gly Ala Ser Asn Ala Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7088

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7088

Ala Gln Asn Gly Ser Arg Asp Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7089

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7089

Ala Gln Tyr Gly Val Glu Arg Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7090

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7090

Ala Gln Ala Lys Val Ala Ser Ser Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 7091

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7091

Ala Gln His Lys Gln Ile Leu Leu Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7092

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7092

Ala Gln Asp Arg Ala Asn Asp Arg Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7093

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7093

Ala Gln Lys Met Ser Thr Thr Met Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7094

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7094

Ala Gln Gly Gly Glu Asn Gly Val Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7095

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7095

Ala Gln Val Thr Gln Thr Leu Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7096

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7096

Ala Gln Leu Tyr Thr Lys Ala Leu Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7097

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7097

Ala Gln Thr Leu Pro Gly His Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7098

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7098

Ala Gln Ser Lys Ser Gly Leu Val Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7099

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7099

Ala Gln Leu Thr Leu Lys Asp Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7100

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7100

Ala Gln Trp Asn Gly Thr Gly Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7101

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7101

Ala Gln Leu Val Gln Asn Asn Thr Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7102

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7102

Ala Gln Leu Ala Asp Arg Gly Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7103

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7103

Ala Gln Leu Ala Ser Thr Gly Ala Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7104

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7104

Ala Gln Leu Gly Arg Asn Asp Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7105

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7105

Ala Gln Arg Ser Thr Asn Gly Glu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7106

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7106

Ala Gln Gly Ala Thr Tyr Gln Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7107

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7107

Ala Gln Gly Lys Ser Gln Leu Leu Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7108

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7108

Ala Gln Asn Thr Ala Thr Phe Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7109

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7109

Ala Gln Tyr Ser Thr Thr Ile Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7110

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7110

Ala Gln Pro Arg His Ser Val Gln Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7111

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7111

Ala Gln Asn Asn Asn Thr Lys Met Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7112

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7112

Ala Gln Leu Thr Gly His His Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7113

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7113

Ala Gln Asn Val Ser Ser Gly Gln Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7114

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7114

Ala Gln Ser Leu Gln Asp Ala Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7115

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7115

Ala Gln Leu Asn Arg Asp Gly Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7116

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7116

Ala Gln Asn Ser Thr Glu Asn Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7117

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7117

Ala Gln Ser Leu Val Ala Gln Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7118

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7118

Ala Gln His Ala Ala Thr Val Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 7119

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7119

Ala Gln Asn Val Ser Gly Ala Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7120

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7120

Ala Gln Arg Ala Asp Lys Phe Asp Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7121

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7121

Ala Gln Ser Gln Pro Asp Val Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7122

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7122

Ala Gln Val Leu Thr Gln Gln Thr His Ala Gln

1 5 10

<210> 7123

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7123

Ala Gln Thr Asp Asn Ser Thr Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7124

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7124

Ala Gln Tyr Asn Thr Arg Tyr Asp Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7125

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7125

Ala Gln Ser Ala Asn Asp Ala Arg Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7126

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7126

Ala Gln Ile Leu Thr Pro Asp Leu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7127

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7127

Ala Gln Pro Asn Val Gly Ala Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7128

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7128

Ala Gln Leu Ser Ala Ser His Thr Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7129

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7129

Ala Gln Thr Lys Val Leu Ile Glu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7130

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7130

Ala Gln Met Asn Thr Leu Ile Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7131

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7131

Ala Gln Ser Ser Asn Val Val Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7132

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7132

Ala Gln Met Asn Val Arg Pro Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7133

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7133

Ala Gln Asp Thr Gly Leu Asn Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7134

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7134

Ala Gln Thr Leu Asn Arg Asp His Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7135

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7135

Ala Gln Leu Leu Leu Ser His His Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7136

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7136

Ala Gln Asn Pro Ala Met Ala Thr Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 7137

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7137

Ala Gln Ile Ser Gln Arg Ile Tyr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7138

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7138

Ala Gln Thr Thr Gly Val Ala Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7139

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7139

Ala Gln Phe Gly Thr Phe Pro Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7140

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7140

Ala Gln Arg Gly Ser Asp Phe Asp Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7141

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7141

Ala Gln Ser Lys Ala Ser Leu Asp Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7142

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7142

Ala Gln Leu Leu Asn Ser His Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7143

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7143

Ala Gln Ala Ser Ile His Lys Asp Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7144

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7144

Ala Gln Ser Asp Pro Gly Lys Phe Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7145

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7145

Ala Gln Gly Thr Ser Ser Ala Gln Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7146

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7146

Ala Gln Ser Thr Asn Ser Lys Leu Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 7147

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7147

Ala Gln Asn Leu Gln Thr Val Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7148

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7148

Ala Gln Val Val Thr His Leu Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7149

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7149

Ala Gln Leu Ser Thr Ser Asn Asn Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 7150

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7150

Ala Gln Asn Asn Ser Gly His Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7151

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7151

Ala Gln Ala Tyr Gln Val Asn Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7152

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7152

Ala Gln Gln Gln Asn Tyr Leu Asn His Ala Gln

1 5 10

<210> 7153

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7153

Ala Gln Phe Ala Thr Thr Asn Thr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7154

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7154

Ala Gln Leu Ala Asn Lys Ile Ala Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7155

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7155

Ala Gln Gln Ser Phe Gln Arg Glu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7156

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7156

Ala Gln Leu His Ile Ser Glu Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7157

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7157

Ala Gln Arg Val Gly Glu Arg Glu Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7158

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7158

Ala Gln Val Asn Ile Ile Gln Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7159

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7159

Ala Gln Gly Val Gly Leu His Asn Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7160

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7160

Ala Gln Asn Asn Pro Ala Ile Pro Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7161

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7161

Ala Gln Arg Leu Ser Ser Gln Ala Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7162

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7162

Ala Gln His Ser Asn Glu Leu Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7163

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7163

Ala Gln Ser Leu Gly Pro Thr Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7164

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7164

Ala Gln Gly Asn Gln Thr Asn Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7165

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7165

Ala Gln Ser Asn Pro Val Gly Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7166

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7166

Ala Gln Gln Val Pro Pro Leu Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7167

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7167

Ala Gln Leu Ser Thr Pro Pro Thr Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7168

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7168

Ala Gln Val Gly Thr Glu Pro Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7169

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7169

Ala Gln Arg Pro Asp Ala Thr Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 7170

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7170

Ala Gln Val Glu Lys Gln Met Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7171

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7171

Ala Gln Phe Lys Ser Ala Gln Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7172

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7172

Ala Gln Trp Ala Leu Ser Thr Asp Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7173

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7173

Ala Gln Leu Ala Gly Leu Ala Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7174

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7174

Ala Gln Thr Leu Thr Ala Gly Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7175

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7175

Ala Gln Ile Pro Val Thr Ser Arg Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7176

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7176

Ala Gln Gly Thr Asp Tyr Pro Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7177

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7177

Ala Gln Val Thr Glu His Ser Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7178

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7178

Ala Gln Asn Met Ser Met Pro Val Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7179

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7179

Ala Gln Ser Val Gly Val Gly Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7180

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7180

Ala Gln Pro Arg Thr Asp Asn Glu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7181

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7181

Ala Gln Phe Ser Asn Pro Asp Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7182

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7182

Ala Gln Met His Leu Val Pro Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7183

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7183

Ala Gln Asn Ala Pro Pro Val Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7184

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7184

Ala Gln Ser Asn Leu Pro Thr Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7185

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7185

Ala Gln Ile Met Gln Gly Met Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7186

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7186

Ala Gln Ser Arg Glu Thr Thr Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7187

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7187

Ala Gln Asn Pro Thr Ser Phe Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7188

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7188

Ala Gln Asn Leu Gln His Gly Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7189

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7189

Ala Gln Asn Phe His Ser Gly His Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7190

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7190

Ala Gln Thr Glu Ser Val Tyr Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7191

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7191

Ala Gln Thr Lys Ser Glu Ile Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7192

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7192

Ala Gln Thr Ser Leu Ala Asp Met Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7193

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7193

Ala Gln Arg Leu Lys Ala Asp Ile Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7194

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7194

Ala Gln Leu Asn Met Asn Val Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7195

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7195

Ala Gln Ser Leu Arg Pro Ile Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7196

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7196

Ala Gln Leu Ser Val Gln Leu Val Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 7197

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7197

Ala Gln Ser Phe Glu Gly Val Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7198

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7198

Ala Gln Ile Ile Val Gly Leu Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7199

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7199

Ala Gln Val Ser Ser Tyr Glu Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7200

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7200

Ala Gln Arg Thr Asn Asp Ala Ile Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7201

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7201

Ala Gln Phe Ser Glu His Arg Glu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7202

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7202

Ala Gln Lys Glu Ala Thr Ala Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7203

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7203

Ala Gln Leu Arg Ala Ser Ile Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7204

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7204

Ala Gln Trp Leu Gly Ile Thr Glu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7205

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7205

Ala Gln Ser Ser Gln Lys Ala Ala Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 7206

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7206

Ala Gln Gly Ser Thr Pro Gly Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7207

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7207

Ala Gln Lys Gly Asn Ala Asn Asp Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7208

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7208

Ala Gln Thr Ser Ala Pro Leu Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7209

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7209

Ala Gln Pro Val Gln Thr Asn Gly His Ala Gln

1 5 10

<210> 7210

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7210

Ala Gln Arg Pro Ala Val Asp Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7211

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7211

Ala Gln Thr Thr Leu Ser Gln Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7212

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7212

Ala Gln Val Met Thr Val Gly Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7213

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7213

Ala Gln Ala Leu Asn Lys Glu Asn Trp Ala Gln

1 5 10

<210> 7214

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7214

Ala Gln His His His Leu Thr Gly Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7215

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7215

Ala Gln Gly Met Arg Thr Val Asn Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7216

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7216

Ala Gln Thr Leu Asn Ser Ser Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7217

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7217

Ala Gln Ser Ala Ser Thr Ile Leu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7218

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7218

Ala Gln Glu Met Ile Arg Pro Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7219

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7219

Ala Gln Met Ser Ala Ala Ser Tyr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7220

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7220

Ala Gln His Phe Thr Thr Gly Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7221

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7221

Ala Gln Ala Ser His Thr Ile Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7222

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7222

Ala Gln Ser Arg Glu His Gln Leu Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7223

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7223

Ala Gln Ala Gly Thr Thr Ala Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7224

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7224

Ala Gln Gly Lys Val Ser Gly Ala Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7225

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7225

Ala Gln Lys Leu Ser Gly Met Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7226

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7226

Ala Gln Val Leu Pro Lys Asp Asp Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7227

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7227

Ala Gln Leu Ala Gly Ile Leu Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7228

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7228

Ala Gln Val Val Pro Gly Ala Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7229

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7229

Ala Gln Gly Gln His Ser Tyr Ala His Ala Gln

1 5 10

<210> 7230

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7230

Ala Gln His His Leu Ser Thr Ser Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7231

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7231

Ala Gln Thr Leu Ile Pro Pro Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7232

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7232

Ala Gln Glu Met His Asn Pro Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7233

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7233

Ala Gln Ile Glu Asn Pro Pro Arg Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7234

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7234

Ala Gln Gly Gln Phe Ser Asp Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7235

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7235

Ala Gln Ala Glu Ala Ser Ala Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7236

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7236

Ala Gln Leu Val Lys Gly Asp Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7237

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7237

Ala Gln Gln Gly His Thr His Gly Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7238

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7238

Ala Gln Gln Lys Pro Thr Ser Thr Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 7239

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7239

Ala Gln Lys Leu Ala Ala Leu Gly Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7240

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7240

Ala Gln Ser Ser Val Asp Gln Met Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7241

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7241

Ala Gln Gly Ile Val Thr Ala Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7242

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7242

Ala Gln Leu Leu Lys Met Pro Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7243

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7243

Ala Gln Asn Val Ala His Thr Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7244

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7244

Ala Gln Leu Met Ser Thr Asn Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7245

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7245

Ala Gln Leu Ser Asn Asn Asn Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7246

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7246

Ala Gln Leu Leu Ile Gly Pro Thr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7247

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7247

Ala Gln Val Arg Asn Thr Met Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7248

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7248

Ala Gln Gly Ala Thr Gly His Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7249

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7249

Ala Gln Met Thr Val Gly Asn Leu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7250

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7250

Ala Gln Ser Asn Gly Leu Asn Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7251

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7251

Ala Gln Arg Asn Glu Asn Glu Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7252

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7252

Ala Gln Gly Asn Ala Arg Asp Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7253

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7253

Ala Gln Ile Ser Lys Leu Leu Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7254

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7254

Ala Gln Asn Asp Thr Thr Asn Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7255

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7255

Ala Gln Gly Leu Glu Ala Asn Lys Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7256

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7256

Ala Gln His Tyr Ser Thr Val Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7257

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7257

Ala Gln Pro Thr Ile Ser Val Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7258

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7258

Ala Gln Val Gln Thr Ile Gly His Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 7259

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7259

Ala Gln Lys Pro Glu Thr Ala Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7260

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7260

Ala Gln Thr Asn Thr Pro Thr Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7261

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7261

Ala Gln Ser Leu Thr Leu Ser Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 7262

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7262

Ala Gln His Tyr His Ser Ile Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7263

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7263

Ala Gln Tyr His Gly Glu Asn Glu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7264

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7264

Ala Gln Leu Pro His Thr Ala Arg Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7265

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7265

Ala Gln Thr Arg Glu Gly Ser Thr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7266

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7266

Ala Gln Val Asp Arg Arg Ala Met Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7267

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7267

Ala Gln Thr Ser Val Ser Ala Val Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7268

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7268

Ala Gln Ser Gln Lys Leu Thr Glu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7269

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7269

Ala Gln Arg Leu Pro Ser Leu Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7270

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7270

Ala Gln Ser Val Ser Glu Gly Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7271

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7271

Ala Gln Ser Ile Pro Ser Val Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7272

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7272

Ala Gln Thr Thr Asn Asn Ala Lys Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7273

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7273

Ala Gln Ala Ser Gly Glu Ala Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7274

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7274

Ala Gln Asp Asn Asn Ser Ser Ile Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7275

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7275

Ala Gln Val His Asp Asn Ser Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7276

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7276

Ala Gln Ser Thr Leu Ala Gly Ser Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 7277

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7277

Ala Gln Pro Glu Lys Ser His Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7278

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7278

Ala Gln Gln Met Leu Arg Ala Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7279

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7279

Ala Gln Ala Leu Ser Asn Asn Ile Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7280

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7280

Ala Gln Ser Leu Ala Asn Gln Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7281

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7281

Ala Gln Glu Gln Ser Arg Leu Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7282

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7282

Ala Gln Asn Leu Ser Gln Asn Val Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7283

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7283

Ala Gln Ser His Lys Leu Ser Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7284

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7284

Ala Gln Pro Thr Asn Thr Lys Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7285

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7285

Ala Gln Met Asn Pro Ala Thr Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7286

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7286

Ala Gln Lys Ile Glu Arg Thr Asn Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 7287

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7287

Ala Gln Thr Ser Pro Thr Tyr Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7288

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7288

Ala Gln Arg Ser Asp His Ile Asp Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7289

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7289

Ala Gln Thr Leu Gly Leu Asn Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7290

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7290

Ala Gln Pro Leu Ser Asn His Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7291

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7291

Ala Gln Ala Val Ser Arg Leu Pro Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7292

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7292

Ala Gln Leu Leu Thr Glu Ser Lys Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7293

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7293

Ala Gln His Met Arg Thr Asp Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7294

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7294

Ala Gln Ser Leu Thr Val Asn Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7295

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7295

Ala Gln Asn Pro Asn Gly Val Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7296

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7296

Ala Gln Thr Thr Lys Leu Pro Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7297

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7297

Ala Gln Asn Ser Thr Ser Lys Gln Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7298

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7298

Ala Gln Thr Leu Gly Ser Ser Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7299

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7299

Ala Gln Pro Arg Ala Thr Asp Pro Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7300

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7300

Ala Gln Ser Leu Leu Asn Lys Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7301

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7301

Ala Gln Gln Lys Ser Asp Gly Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7302

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7302

Ala Gln Thr Val Ser Gly Phe Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7303

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7303

Ala Gln Thr Val Leu Val Lys Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7304

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7304

Ala Gln Gly Ala His Ile Ser Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7305

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7305

Ala Gln Glu Pro Ser Ile Pro Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7306

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7306

Ala Gln Gly Thr Val Gln Ala Arg Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7307

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7307

Ala Gln Asn Asn His Asn Tyr Val Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7308

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7308

Ala Gln Arg Thr Ala Ser Val Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7309

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7309

Ala Gln Ile Ser Met Asp Asn His Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7310

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7310

Ala Gln Ser Asp Gly His Asn His Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7311

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7311

Ala Gln Ser Ala Gly Ser Gly Ile Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7312

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7312

Ala Gln Lys Ala Thr Leu Ser Glu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7313

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7313

Ala Gln Ile His Ala Gly Gly Gln Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7314

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7314

Ala Gln Leu Thr Pro Ser Ser Ala Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7315

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7315

Ala Gln Asp Gly Lys Ala Tyr Asn His Ala Gln

1 5 10

<210> 7316

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7316

Ala Gln Trp Ser Ala Gln Thr Met Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7317

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7317

Ala Gln Asn Ser Thr Arg Ile Ile Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7318

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7318

Ala Gln Lys Asn Ser Ser Met Leu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7319

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7319

Ala Gln Arg Gln Val Ser Gly Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7320

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7320

Ala Gln Pro Val Thr Gly Asn Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7321

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7321

Ala Gln Met Tyr Pro Asp Arg His Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7322

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7322

Ala Gln Thr Tyr Gln Ile Gly Ala Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7323

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7323

Ala Gln Lys Thr Gly Ser Leu Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7324

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7324

Ala Gln Ile Ile Pro Ala Ser Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7325

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7325

Ala Gln Asp Asn Gln Gly Thr Lys His Ala Gln

1 5 10

<210> 7326

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7326

Ala Gln Ser Tyr Lys Glu Ser Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7327

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7327

Ala Gln Ala Ile Ile Ser Asn Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7328

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7328

Ala Gln Thr Asp Gln Ile Arg Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7329

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7329

Ala Gln His Ser Ala Thr Asn Ile Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7330

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7330

Ala Gln Gly Thr Val Asn Ile Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7331

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7331

Ala Gln Ala Val Val Pro Ala Met Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7332

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7332

Ala Gln Ile Pro Arg Ser Asp Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7333

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7333

Ala Gln Thr Lys Tyr Thr Leu Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7334

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7334

Ala Gln Ser Leu Arg Glu Thr Ser Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7335

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7335

Ala Gln Glu Gly Asp Asn Lys Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7336

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7336

Ala Gln Ile Val Ser Ser Thr Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7337

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7337

Ala Gln Leu Val Asn Ser Gly Ala His Ala Gln

1 5 10

<210> 7338

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7338

Ala Gln Arg Thr Ser Asp Asn Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7339

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7339

Ala Gln Pro Asp Gly Lys Ser Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7340

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7340

Ala Gln His Lys Asn Met Leu Glu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7341

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7341

Ala Gln Leu Ser Pro Gly Val Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7342

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7342

Ala Gln Thr Asn His Thr Arg Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7343

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7343

Ala Gln Leu Gly Asp Ser Glu Arg Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7344

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7344

Ala Gln Leu Leu Lys Ile Glu Gln Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7345

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7345

Ala Gln Ser His Leu Lys Glu His Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7346

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7346

Ala Gln Pro Ile Asp Asn Arg Gln Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7347

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7347

Ala Gln Asp Met His Ser Gly Val Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7348

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7348

Ala Gln Pro Ser Ser Pro Ile Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7349

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7349

Ala Gln Leu Ser Ser Thr Leu Asp Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7350

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7350

Ala Gln Pro Asn Thr Ala His Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7351

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7351

Ala Gln Ala Thr Arg Val Asp Val Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7352

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7352

Ala Gln Ser Thr Asn Val Thr Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7353

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7353

Ala Gln Tyr Gly Asn Asn Ser Phe Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7354

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7354

Ala Gln Pro Thr Ala Lys Pro Met Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7355

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7355

Ala Gln Leu Pro Asn Leu Pro Thr Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7356

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7356

Ala Gln Thr Arg Leu Pro Asn Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7357

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7357

Ala Gln His Lys His Ser Thr Gln Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7358

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7358

Ala Gln Asn Gly Thr Asn Gly Phe Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7359

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7359

Ala Gln Ser Thr Asp Ala Ile Arg Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 7360

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7360

Ala Gln Leu Val Arg Asp His Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7361

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7361

Ala Gln Ile Ser Leu Gly Tyr Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7362

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7362

Ala Gln Leu Phe Gly Ser Ser His Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7363

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7363

Ala Gln Ser Thr Ile Thr Pro Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7364

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7364

Ala Gln Gln Ile Thr Asn Gly Leu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7365

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7365

Ala Gln Thr Thr Glu Tyr Asn Ile Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7366

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7366

Ala Gln Thr Asp Leu Gly Arg Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7367

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7367

Ala Gln Glu Arg Ser Pro Thr Ile Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7368

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7368

Ala Gln His Gly Asp Ser Ala Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7369

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7369

Ala Gln Leu Ser Val Pro Asn Gln Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7370

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7370

Ala Gln Ser Asp Gly Pro Val Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7371

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7371

Ala Gln Asn Met Asn His Ile Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7372

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7372

Ala Gln Val Pro Asn Ser Pro Gln Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7373

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7373

Ala Gln Asp Arg Met Ala Ser Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7374

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7374

Ala Gln Leu Leu Ser Asn Ser Ser Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7375

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7375

Ala Gln Glu Thr Ala Val Leu Asn His Ala Gln

1 5 10

<210> 7376

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7376

Ala Gln Glu Gln Arg Thr Pro Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7377

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7377

Ala Gln Gln His Leu Asn Gly Ser Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7378

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7378

Ala Gln Ser Val Leu Gln Val Glu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7379

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7379

Ala Gln Phe Leu Ser Gly Thr Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7380

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7380

Ala Gln Gly Asn Pro Asn Asp Arg Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7381

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7381

Ala Gln Thr Asp Lys Ala Val Gln Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7382

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7382

Ala Gln Glu Lys Tyr Thr Gly Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7383

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7383

Ala Gln Leu Ala Gly Ser Arg Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7384

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7384

Ala Gln Met Ile Pro Ser Thr Asn Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 7385

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7385

Ala Gln Pro Leu Thr Gly Ser Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7386

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7386

Ala Gln Ser Val Ser Asn Ala Phe Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7387

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7387

Ala Gln Gln Gly Gly Gln Ala Leu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7388

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7388

Ala Gln His Pro Gly Gln Thr Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7389

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7389

Ala Gln Lys Glu Tyr Asn Thr Tyr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7390

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7390

Ala Gln Thr His Thr Ala Gln Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7391

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7391

Ala Gln Met Thr Pro Gln Val Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7392

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7392

Ala Gln Thr Arg Val Ser Ser Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7393

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7393

Ala Gln His Ala Asp Leu Lys Ile Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7394

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7394

Ala Gln Asn Arg Asn Thr Asp Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7395

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7395

Ala Gln Ala His Lys Asp Asn His Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7396

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7396

Ala Gln Ser Val Pro Val Pro Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7397

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7397

Ala Gln Gln Thr Asn Ser Ala Leu Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7398

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7398

Ala Gln Leu Gly Arg Asp Thr Ala Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7399

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7399

Ala Gln Ser Ser Val Ala Leu Val Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7400

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7400

Ala Gln Met Asn Ala Ala Thr Thr Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7401

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7401

Ala Gln Met Val Ser Thr Ala Lys Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7402

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7402

Ala Gln Leu Gly Gln Met Tyr Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7403

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7403

Ala Gln Asp Ser Lys Glu Lys Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7404

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7404

Ala Gln Ser Pro Pro Val Gln Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7405

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7405

Ala Gln Thr Ala Ser Asp Arg Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7406

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7406

Ala Gln Ile Tyr Ser Pro Thr Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7407

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7407

Ala Gln Ser Gln Ser Lys Glu Leu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7408

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7408

Ala Gln Gly Ala Leu Asn Gly Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7409

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7409

Ala Gln Thr Ile Ile Asn Ser Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7410

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7410

Ala Gln Pro Val Ser Ala Gln Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7411

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7411

Ala Gln Ser Asn Glu Ala Val Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7412

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7412

Ala Gln Ala Ser Met Gln Met Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7413

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7413

Ala Gln Ser Val Gly Lys Ser Glu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7414

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7414

Ala Gln Ser Gln Val Asn Pro Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7415

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7415

Ala Gln Ile Thr Thr Asp Gln Pro Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 7416

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7416

Ala Gln Asn Asn Gly Ser Gly Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7417

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7417

Ala Gln Thr Leu Ala Arg Ser Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7418

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7418

Ala Gln Asn Ala Ser Thr Met Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7419

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7419

Ala Gln Thr Asn Gln Val Arg Tyr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7420

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7420

Ala Gln Ser Thr Gln Ser Pro Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7421

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7421

Ala Gln Asp Thr Gly Ala Arg Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7422

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7422

Ala Gln Pro Gly Ser His Val Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7423

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7423

Ala Gln Ala Asn Gly Ile Glu Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7424

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7424

Ala Gln Ala His Gly Gln Val Gln Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 7425

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7425

Ala Gln Ala Leu Ser His Asp Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7426

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7426

Ala Gln Leu Gly Ser Ser Leu Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7427

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7427

Ala Gln Gly Asn Asn Thr Ala Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7428

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7428

Ala Gln Asn Tyr Ala Gln Ser Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7429

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7429

Ala Gln Asp Ser Gln Ser Lys Thr Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 7430

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7430

Ala Gln Thr Asn His Val Lys Phe Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7431

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7431

Ala Gln Ser Thr Pro Thr His Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7432

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7432

Ala Gln Ser Val Gly Leu Thr Met Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7433

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7433

Ala Gln Ile Pro Lys Gly Ser Gly Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7434

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7434

Ala Gln Thr Ala Gln Ala Arg Val Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7435

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7435

Ala Gln Trp His Ala Gly Ser Val Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7436

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7436

Ala Gln Ser Gln Ser Leu Leu Val Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 7437

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7437

Ala Gln Asn Asn Ser Gly Pro Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7438

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7438

Ala Gln Arg Asp Asn Ala Ile Glu His Ala Gln

1 5 10

<210> 7439

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7439

Ala Gln Thr Met Ser Asn Ile Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7440

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7440

Ala Gln Leu Ser Thr Leu Ser Gln Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7441

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7441

Ala Gln Val Met Gln Asn Tyr Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7442

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7442

Ala Gln Thr His Ser Ala Gln Gln Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7443

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7443

Ala Gln Ser Val Pro Pro Asn Arg Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7444

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7444

Ala Gln Ser Val Ala Ala Ser Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7445

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7445

Ala Gln Asn Asn Thr Ser Thr Leu His Ala Gln

1 5 10

<210> 7446

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7446

Ala Gln Asn Leu Ser Asp His Met Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7447

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7447

Ala Gln Gly Leu Tyr Ala Thr Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7448

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7448

Ala Gln Arg Asn Gly Gly Ala Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7449

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7449

Ala Gln Phe His Asn Leu Thr Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7450

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7450

Ala Gln Trp Lys Ser Pro Ala Ala Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7451

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7451

Ala Gln Pro Lys Gly Leu Ser Gly Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 7452

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7452

Ala Gln Ser His Tyr Gln Leu His Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7453

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7453

Ala Gln Thr Thr Phe Arg Ser Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7454

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7454

Ala Gln Tyr Asp Ala Thr His Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7455

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7455

Ala Gln Asn Gln Ser Gly Pro Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7456

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7456

Ala Gln His Thr Asn Met Thr Ser Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7457

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7457

Ala Gln His Met Lys Ser Gln Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7458

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7458

Ala Gln Lys Leu Pro Thr Met Ala Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7459

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7459

Ala Gln Val Gly Thr Asn Ala Asn His Ala Gln

1 5 10

<210> 7460

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7460

Ala Gln Leu Lys Thr Asp Pro Phe Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7461

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7461

Ala Gln His Leu Gln Gln Asn Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7462

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7462

Ala Gln Thr Gln Asn Lys Asn Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 7463

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7463

Ala Gln Pro Asn Ala Gln Ser Gln Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7464

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7464

Ala Gln Gly Ser Gly His Ser Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7465

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7465

Ala Gln Leu Thr Gly Arg Leu Glu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7466

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7466

Ala Gln Pro Ser Arg Asn Ala Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7467

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7467

Ala Gln Val Phe Arg Thr Ser Asp Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7468

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7468

Ala Gln Ile Ala Ser Thr Tyr Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7469

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7469

Ala Gln Thr Ile Asn His Ala Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7470

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7470

Ala Gln Ala Met Asn Asn Arg Ala His Ala Gln

1 5 10

<210> 7471

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7471

Ala Gln Ser His His Glu Gln Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7472

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7472

Ala Gln Ser Gly Val Thr Ser Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7473

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7473

Ala Gln Val Phe Thr Asn Asp Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7474

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7474

Ala Gln Ala Ala Val Leu Val Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7475

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7475

Ala Gln Pro Thr Ala Gly Arg Tyr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7476

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7476

Ala Gln His Leu Asn Ser Gln Asn Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7477

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7477

Ala Gln Pro Asn Pro Asn Val Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7478

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7478

Ala Gln Ala Ser Glu Asn Leu Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7479

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7479

Ala Gln Asn Ser Pro Met Arg Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7480

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7480

Ala Gln Val Ala Gly Thr Asn Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7481

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7481

Ala Gln Gly Ser Glu Ser Ser Met Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7482

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7482

Ala Gln Thr Leu Ala Ser Ala Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7483

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7483

Ala Gln Ile Ser Gln Ser Trp Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7484

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7484

Ala Gln Ser Gly Asp Ser Arg Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7485

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7485

Ala Gln Pro Asn Ile Lys Thr Asp Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7486

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7486

Ala Gln Trp Gln Ala Thr Asp Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7487

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7487

Ala Gln Asn Asn Asn Val Val Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7488

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7488

Ala Gln Lys Ala Ile Ser Thr Ala Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7489

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7489

Ala Gln Arg Gln Glu Val Ser Gly Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7490

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7490

Ala Gln Trp Gln Asp Leu Asn Val Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7491

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7491

Ala Gln Ser Arg Ser Asp Asn Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7492

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7492

Ala Gln Ile Gly Ser Ser Thr Lys Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7493

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7493

Ala Gln Ser Pro Ile Ile Asn Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7494

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7494

Ala Gln Asp Lys Asp Thr Ala Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7495

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7495

Ala Gln Ser Lys Val Asp Ser Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7496

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7496

Ala Gln Thr Leu Thr Arg Gly Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7497

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7497

Ala Gln Thr Arg Thr Ser Pro Ile Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7498

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7498

Ala Gln Leu Thr Ser Ala Thr Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7499

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7499

Ala Gln Thr Ile Asn Ile His Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7500

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7500

Ala Gln Ser Phe Ser Pro Glu Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7501

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7501

Ala Gln Gly Met Ala Leu Gly Thr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7502

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7502

Ala Gln Tyr Asn Gly Thr Gln Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7503

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7503

Ala Gln Asn Lys Leu Leu Glu His Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7504

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7504

Ala Gln Tyr Val Asn Asn Val Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7505

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7505

Ala Gln Tyr Ser Val Val His Asp Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7506

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7506

Ala Gln Gly Leu Glu Thr Arg His Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7507

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7507

Ala Gln Ala Pro Asn Leu Met Ala Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7508

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7508

Ala Gln Asn Ser Asn Gly Met Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7509

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7509

Ala Gln Ser Leu Asn Tyr Ser Gln Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7510

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7510

Ala Gln Thr Glu Tyr Ala Asn Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7511

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7511

Ala Gln Pro Leu Gly His Val Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7512

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7512

Ala Gln Leu Arg Asp Ser Pro Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7513

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7513

Ala Gln Val Ile Arg Ser Asn Thr His Ala Gln

1 5 10

<210> 7514

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7514

Ala Gln Ala Ser Val Ser Asn Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7515

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7515

Ala Gln Trp Ala Gln Arg Thr Ser Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7516

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7516

Ala Gln Asn Asp Lys Gly Met Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7517

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7517

Ala Gln Gln Asn Asp Thr Arg Asn Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7518

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7518

Ala Gln Gly Glu Val Ala Gly Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7519

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7519

Ala Gln Thr Thr Thr Asn Thr Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7520

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7520

Ala Gln Pro Val Met Ser Asn Lys Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7521

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7521

Ala Gln Asn Gly Gly Thr Thr Phe Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7522

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7522

Ala Gln Val Leu Lys Thr Thr Ala Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7523

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7523

Ala Gln Pro His Gly Val Gly Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7524

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7524

Ala Gln Ser Asn Ala His Pro Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7525

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7525

Ala Gln Lys Ser Thr Ser Leu Asp Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7526

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7526

Ala Gln Phe Asn Lys Thr Asn Asp Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7527

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7527

Ala Gln His Gln Thr Ser Glu Leu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7528

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7528

Ala Gln Trp Ala Lys Val Leu Asp Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7529

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7529

Ala Gln Met Ser Ser Asn Asn Lys Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7530

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7530

Ala Gln Asp Gly Thr His Leu Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7531

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7531

Ala Gln Thr Val Ile Ser Asp Gln Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7532

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7532

Ala Gln Met His Ser Gln Leu Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7533

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7533

Ala Gln Ser Ser Tyr Gly Thr Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7534

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7534

Ala Gln Val Leu Ser Thr Met Ala Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7535

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7535

Ala Gln Ser Ala Ser Asn Phe Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7536

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7536

Ala Gln Ser Lys Ala Gly Leu Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7537

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7537

Ala Gln Ile Asn Arg Ile Val Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7538

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7538

Ala Gln Lys Leu Asp Thr Pro Gly Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7539

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7539

Ala Gln Met Asp Arg Ile Val Lys Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7540

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7540

Ala Gln Arg Glu Arg Ser Thr Asp Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7541

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7541

Ala Gln Leu Arg Asp Ser Thr Gly His Ala Gln

1 5 10

<210> 7542

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7542

Ala Gln Met Arg Gly Gln Gly Val His Ala Gln

1 5 10

<210> 7543

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7543

Ala Gln Ser Ala Gln Met Ile Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7544

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7544

Ala Gln Trp Thr Asn Gly Val Ala Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7545

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7545

Ala Gln Thr Ala Ile Ser Ile Gln Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7546

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7546

Ala Gln Pro Ser Gly Ser Gln Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 7547

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7547

Ala Gln Asn Arg Leu Thr Pro Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7548

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7548

Ala Gln Ile Ala Leu Glu His Arg Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7549

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7549

Ala Gln Pro Ala Arg Thr Pro Pro Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7550

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7550

Ala Gln Met Gly Lys Ser Asn Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7551

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7551

Ala Gln Pro Ile Val Arg Ser Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7552

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7552

Ala Gln Val Thr Gln Leu Ser Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7553

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7553

Ala Gln Lys Ala Leu Leu Pro Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7554

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7554

Ala Gln Ser Gly Asn Ser Arg Leu Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7555

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7555

Ala Gln Arg Asn Gln Ser Ala Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7556

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7556

Ala Gln Asn Leu Gln Asn Met Ile Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7557

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7557

Ala Gln Ser Ser Tyr Asp Lys Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7558

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7558

Ala Gln Val Leu Ala Asn Gln Gln Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7559

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7559

Ala Gln Arg Thr Thr Asn Glu Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7560

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7560

Ala Gln Ile Val Ser Asn Gln Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7561

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7561

Ala Gln Asn Ala Thr His Ala Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7562

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7562

Ala Gln Lys Gly Asn Glu Pro Leu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7563

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7563

Ala Gln Leu Gly Thr Tyr Leu Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7564

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7564

Ala Gln Thr Asn Val Leu Pro Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7565

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7565

Ala Gln Lys Leu Ser His Glu Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7566

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7566

Ala Gln Phe Asp Lys Gln Asn Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7567

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7567

Ala Gln Phe Gly Gly Arg Tyr Glu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7568

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7568

Ala Gln Thr Val Gln Asn His Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7569

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7569

Ala Gln Pro Leu Lys Pro Met Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7570

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7570

Ala Gln Gln Gly Glu Thr Asn His Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7571

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7571

Ala Gln Ala His Ser Asn Met Val Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7572

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7572

Ala Gln Val Ser Ala Ser Ser Asn Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7573

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7573

Ala Gln Thr Asn Gln Ser Lys Asn Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 7574

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7574

Ala Gln Lys Met Lys Asp Met Ser Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7575

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7575

Ala Gln His Pro Ser Gly Ser Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7576

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7576

Ala Gln Ile Lys Asp Thr Val Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7577

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7577

Ala Gln Met Asn Thr Leu Thr Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7578

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7578

Ala Gln Thr Asp Ser Ala Pro His Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7579

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7579

Ala Gln Pro Arg Pro Val Ser Asn Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7580

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7580

Ala Gln Ser Val Asp Arg Arg Pro Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7581

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7581

Ala Gln Met Asp Ser Pro Ile Arg Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7582

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7582

Ala Gln Ala Thr Arg Met Ser Ile Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7583

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7583

Ala Gln Asn Val Pro Thr Ser Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7584

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7584

Ala Gln Ser Leu Arg Ile Glu Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7585

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7585

Ala Gln Asn Ser Gly Asn Thr Leu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7586

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7586

Ala Gln Arg Leu Asp His Ala Ser Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7587

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7587

Ala Gln Ser His Leu Val Val Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7588

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7588

Ala Gln Pro Ala Ser Pro Arg Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 7589

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7589

Ala Gln Asn His Thr Leu Val Pro Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7590

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7590

Ala Gln Met Gln Met Thr Gly Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7591

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7591

Ala Gln Asn Thr Gln Ala Asn Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7592

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7592

Ala Gln Thr Arg Asp Leu Asn Ala Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7593

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7593

Ala Gln Thr Asp Ala Ser Ser Pro Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 7594

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7594

Ala Gln Ala Asp Gln Arg Gln Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7595

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7595

Ala Gln Ala Val Asn Pro Asn Tyr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7596

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7596

Ala Gln Leu Thr Ala Thr Asn Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7597

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7597

Ala Gln Leu Thr Ala Ser Thr Tyr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7598

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7598

Ala Gln Gly Ser Arg Asp Asn Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7599

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7599

Ala Gln Thr Asp Thr Gln Asn Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7600

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7600

Ala Gln Asn Ser Thr Val Asn Thr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7601

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7601

Ala Gln Leu Ser His Ala Met Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7602

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7602

Ala Gln Arg Leu Pro Met Thr Thr Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7603

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7603

Ala Gln Leu Tyr His Glu Ser Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7604

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7604

Ala Gln Ile Leu His Gln Ser Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7605

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7605

Ala Gln Thr Ser Leu Ala Thr Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7606

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7606

Ala Gln Arg Thr Pro Thr Leu Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7607

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7607

Ala Gln Ala Thr Arg Glu Ser Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7608

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7608

Ala Gln Leu Ser Glu Ser Leu Arg Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7609

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7609

Ala Gln Ser Val Thr Gly Gly Met Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7610

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7610

Ala Gln Pro Arg Thr Ser Asp Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7611

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7611

Ala Gln Val His Ser Thr Val Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7612

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7612

Ala Gln Gly Thr Asn Met Asn His Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7613

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7613

Ala Gln Met Lys Ala Glu Leu Tyr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7614

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7614

Ala Gln Leu Arg Ser Pro Ser Val Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7615

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7615

Ala Gln Thr Asn Ser Pro Gln Phe Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7616

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7616

Ala Gln Asn Asn Ser Leu Arg Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7617

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7617

Ala Gln Asp Ser His Met Gly Lys Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7618

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7618

Ala Gln Val Asn Ser Met Thr Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7619

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7619

Ala Gln Leu Ala Pro Ile Ser Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7620

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7620

Ala Gln Asn Met Pro Ser Ile Met Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7621

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7621

Ala Gln Gly Asn Met Ile Lys Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7622

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7622

Ala Gln Thr Gly Val Ser Leu Gln Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7623

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7623

Ala Gln Pro Gln Phe Asn Thr Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7624

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7624

Ala Gln Thr Glu Ala Tyr Arg Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7625

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7625

Ala Gln Leu Met Lys Ala Asp Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7626

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7626

Ala Gln Asn His Lys Glu Phe Met Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7627

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7627

Ala Gln Leu Asn Gly Thr Leu Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7628

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7628

Ala Gln Thr Ala Lys Ile Leu Thr Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7629

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7629

Ala Gln Leu Arg Asp Ser Leu Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7630

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7630

Ala Gln Leu Lys Gly Gly Asp Ser Trp Ala Gln

1 5 10

<210> 7631

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7631

Ala Gln Lys Thr Val Asp Ile Met Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7632

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7632

Ala Gln Leu Asn Met Gly Gln Met Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7633

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7633

Ala Gln Ser Val Pro Ser Leu Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7634

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7634

Ala Gln Gln Leu Leu Gly Thr Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7635

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7635

Ala Gln Met Asn Pro Lys His Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7636

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7636

Ala Gln Ser Pro Glu Gly Ser Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7637

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7637

Ala Gln Ala Asn Met Pro Asn Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7638

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7638

Ala Gln Ala Tyr Ile Ser Ser Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7639

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7639

Ala Gln Glu Arg Gly Ser Gln Ala Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7640

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7640

Ala Gln Gly His Asp Arg Leu Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7641

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7641

Ala Gln Thr Ser Asn Val Thr Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7642

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7642

Ala Gln Leu Thr His Asn Val Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7643

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7643

Ala Gln Arg Glu Asp Gly Val Ala Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7644

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7644

Ala Gln Pro Ala Asp Gly Tyr Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7645

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7645

Ala Gln Gln Leu Asp Ala Thr Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7646

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7646

Ala Gln Val Thr Gly Met Thr Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7647

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7647

Ala Gln Ser Asp Ser Arg Thr Tyr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 7648

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7648

Ala Gln Val Glu Pro Leu Lys Pro Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7649

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7649

Ala Gln Gly Val Leu Ala Ser Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7650

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7650

Ala Gln Met Gly Glu Arg Met Ser Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7651

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7651

Ala Gln Phe Thr Lys Thr Glu Asp Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7652

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7652

Ala Gln Val Lys Asn Thr Glu Leu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7653

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7653

Ala Gln Thr Val Thr Ser Thr Val Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7654

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7654

Ala Gln Ala Lys Tyr Gly Asp Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7655

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7655

Ala Gln Thr Ser Asp Arg Leu Leu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7656

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7656

Ala Gln Ala Val Gly Asn Thr Lys Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7657

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7657

Ala Gln Gln Thr Tyr Asn Lys Met Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7658

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7658

Ala Gln Ala Trp Ala Ser Gln Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7659

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7659

Ala Gln Asn Ala Phe Leu Thr Gly Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7660

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7660

Ala Gln Ser Ile Gly Asp Lys Tyr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7661

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7661

Ala Gln Ser Asn His His His Thr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7662

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7662

Ala Gln Ile Thr Asn Lys Pro Met Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7663

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7663

Ala Gln Leu Ser Gly Gln Val Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7664

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7664

Ala Gln Asn Ser Met Ser Gly His Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7665

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7665

Ala Gln Pro Ala Val His Gly Tyr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7666

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7666

Ala Gln Leu Met Arg Thr Lys Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7667

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7667

Ala Gln Ser Ser Leu Ala Val Asn Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7668

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7668

Ala Gln Asn Thr Gln Ser Glu Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7669

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7669

Ala Gln Asp His Leu Val Ser Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7670

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7670

Ala Gln Trp Ala Thr Ser Thr His Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7671

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7671

Ala Gln Pro Gln Gln Gln Pro Ile Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7672

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7672

Ala Gln Ser Leu Ser Thr His Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7673

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7673

Ala Gln Gly Ser Met Ala Ala Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7674

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7674

Ala Gln Ala Pro Gly Met Thr Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7675

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7675

Ala Gln Val Leu Ala Asn Met Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7676

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7676

Ala Gln Leu Thr Lys Gln Glu Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7677

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7677

Ala Gln Gly Ala Asn Ser Gly Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7678

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7678

Ala Gln Gln Ser Glu Pro Lys Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7679

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7679

Ala Gln Val His Gly Glu Arg Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7680

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7680

Ala Gln Ala His Gln Thr Ala Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7681

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7681

Ala Gln Val Arg Glu Met Gln Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7682

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7682

Ala Gln Val Ala Pro Ser Ala Leu His Ala Gln

1 5 10

<210> 7683

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7683

Ala Gln Ser Val Gly His His Asn Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7684

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7684

Ala Gln Phe Leu Thr Gln Gly Asp Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7685

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7685

Ala Gln Phe Ser Thr Gln Phe Gln His Ala Gln

1 5 10

<210> 7686

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7686

Ala Gln Gln Asn Thr Thr Arg Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7687

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7687

Ala Gln Pro Ala Val Thr Ser Ile Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7688

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7688

Ala Gln Ala Ser Thr Asn Thr Tyr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7689

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7689

Ala Gln Ser Thr Ala Thr Pro Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7690

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7690

Ala Gln His Phe Asn Arg Thr Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7691

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7691

Ala Gln Ser Val Ala Gly Met Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7692

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7692

Ala Gln Pro Met Ser Ser Glu Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7693

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7693

Ala Gln Ser Leu Ala Ser Thr Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7694

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7694

Ala Gln Thr Ser Thr Pro Ala Gln Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7695

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7695

Ala Gln Ser Leu Thr Ala Gln Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7696

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7696

Ala Gln Ser Gly Arg Val Pro Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7697

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7697

Ala Gln Leu Asp Ala Ala Lys Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7698

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7698

Ala Gln Asn Phe Ala Asn Lys Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7699

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7699

Ala Gln Gly Pro Ala Ser Val Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7700

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7700

Ala Gln Tyr Ser Arg Glu Ala Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7701

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7701

Ala Gln Thr Gly Ser Ser Phe Ala Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7702

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7702

Ala Gln Gly Ile Lys Gly Asp Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7703

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7703

Ala Gln Val Thr Ser Thr Ser His Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7704

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7704

Ala Gln Thr Ser Gln Asn Asn Leu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7705

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7705

Ala Gln Met Arg Gln Glu Gly Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7706

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7706

Ala Gln Leu Asn Leu Asn Ala Ile Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7707

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7707

Ala Gln Ser Lys Asn Glu Gly Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7708

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7708

Ala Gln Asp Ser Arg Ser Thr Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7709

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7709

Ala Gln Ser Thr Gly Asp Ala Leu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7710

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7710

Ala Gln Ile Asn Lys Pro Gly Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7711

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7711

Ala Gln Val Ser Ala Pro Leu Asn Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7712

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7712

Ala Gln Val Ser Leu Gly Ser Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7713

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7713

Ala Gln Leu Asn His Ile Asn Glu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7714

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7714

Ala Gln Lys Ser Val Thr Ile Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7715

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7715

Ala Gln Ser Asn Val Ser Ser Leu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7716

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7716

Ala Gln Phe Ser Gln Thr Val Gly Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7717

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7717

Ala Gln Arg Pro Ser Ile Thr His Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7718

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7718

Ala Gln Arg Gln Glu Ser Thr Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7719

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7719

Ala Gln Gly Pro Tyr Val Thr Pro Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7720

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7720

Ala Gln Asn Gly Leu Val Thr Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7721

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7721

Ala Gln His Ala Gly Asn Val Pro Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7722

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7722

Ala Gln Pro Met Gly Asn Asn Leu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7723

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7723

Ala Gln Val Tyr Asn Asp Arg Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 7724

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7724

Ala Gln Thr His Lys Glu Ser Gly Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7725

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7725

Ala Gln Gly Met Asn Ser Val Leu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7726

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7726

Ala Gln Tyr Leu Glu Asn Gln Tyr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7727

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7727

Ala Gln Ser Ile Thr Ser Arg Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7728

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7728

Ala Gln Ser His Gln Asn Thr Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7729

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7729

Ala Gln Arg Leu Val Gln Ser Ala Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 7730

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7730

Ala Gln Tyr Pro Lys Ser Ala Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7731

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7731

Ala Gln Ile Asn Ser Ser Pro Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7732

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7732

Ala Gln Thr Gln Asn Leu Ala Gly Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7733

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7733

Ala Gln Phe Gln Val Ala Lys Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7734

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7734

Ala Gln Arg Leu Ser Gly Asn Gln Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7735

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7735

Ala Gln Thr Thr Asp Arg Val Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 7736

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7736

Ala Gln Thr Ala Thr Val Thr Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7737

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7737

Ala Gln Leu Ser Met Met Ser Asp Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7738

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7738

Ala Gln Thr Leu Ile Gln Thr Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7739

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7739

Ala Gln Pro Met His Ile Thr Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7740

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7740

Ala Gln Thr Val Gly Gln Pro Ala His Ala Gln

1 5 10

<210> 7741

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7741

Ala Gln Glu Asp Lys Asp Val Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7742

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7742

Ala Gln Met Lys Val Ala Gln Pro Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7743

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7743

Ala Gln Val Gly Val Pro Asn Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7744

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7744

Ala Gln Ala Pro Leu Ser Ser Asp Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7745

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7745

Ala Gln Phe Leu His Ala Ser Val Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7746

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7746

Ala Gln Pro Thr Val Gly Thr Tyr Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7747

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7747

Ala Gln Glu Pro Leu His Arg Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7748

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7748

Ala Gln Ala Ser Thr Val Thr Val Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 7749

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7749

Ala Gln Ala Pro Arg Ile Asp Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7750

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7750

Ala Gln Tyr Arg Asp Ser Ala Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7751

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7751

Ala Gln Leu Thr Gln Asn Ala Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7752

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7752

Ala Gln Leu Ser Ala Arg Leu Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7753

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7753

Ala Gln Asn Gly Lys Ser Ser Asp Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7754

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7754

Ala Gln Ala Leu Val Lys Asp Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7755

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7755

Ala Gln Met Leu Val Thr Thr Gly Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 7756

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7756

Ala Gln Ser Gly Asn Pro Ser Tyr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7757

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7757

Ala Gln Val Ile Thr Gly Gly Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7758

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7758

Ala Gln Leu Glu Pro Asn Val Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7759

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7759

Ala Gln Arg Phe Ser Glu Val Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7760

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7760

Ala Gln Asp Pro Gly Lys Ala Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7761

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7761

Ala Gln Ile Ala His Glu Ser Thr Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7762

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7762

Ala Gln Tyr Pro Ser Asn Ser Met His Ala Gln

1 5 10

<210> 7763

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7763

Ala Gln Ser Thr Thr Pro Pro Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7764

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7764

Ala Gln Val Glu Gln Asn Ser Lys Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7765

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7765

Ala Gln Thr Ile Ala Gly Arg Leu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7766

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7766

Ala Gln Ala Arg His Thr Gly Glu Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7767

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7767

Ala Gln Gln His Leu Pro Asn His Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7768

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7768

Ala Gln Thr Thr Met Gly Thr Tyr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7769

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7769

Ala Gln Thr Glu Ser Val Met Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7770

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7770

Ala Gln Gly Ala Lys Pro Ser Asn Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7771

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7771

Ala Gln Ala Val Ser Ser Asp Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7772

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7772

Ala Gln His Ser Pro Gln Leu Gly Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7773

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7773

Ala Gln Leu Tyr Thr Asn Pro Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7774

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7774

Ala Gln Thr Val Ala Leu Asn Met Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7775

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7775

Ala Gln Gln Arg Val Pro Ala Tyr Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7776

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7776

Ala Gln Ser Asp Val Ser Lys Val Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7777

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7777

Ala Gln Ser Asn Thr Gly Glu Gln Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7778

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7778

Ala Gln Phe Thr Thr Gly Leu Asn His Ala Gln

1 5 10

<210> 7779

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7779

Ala Gln Asn Asp Thr Gln Tyr Lys His Ala Gln

1 5 10

<210> 7780

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7780

Ala Gln Val His Asp Val Lys Gly Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7781

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7781

Ala Gln Tyr Gly Gly Arg Asp Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7782

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7782

Ala Gln His Ser Thr Ala Thr Thr His Ala Gln

1 5 10

<210> 7783

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7783

Ala Gln Pro Ser Pro Thr Thr Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7784

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7784

Ala Gln Gly His Ala Glu Ala Ala Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7785

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7785

Ala Gln Ser Leu Ser Thr Arg Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7786

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7786

Ala Gln Ser Pro Val Pro Gly Lys Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7787

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7787

Ala Gln Thr Arg Ile Asn Ser Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7788

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7788

Ala Gln Glu Ser Thr Tyr Ala Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7789

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7789

Ala Gln Gln Ile Asn Gln Gly Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7790

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7790

Ala Gln Gly Ser Arg Thr Gly Ser Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7791

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7791

Ala Gln Gly Asn Ala Ser Trp Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7792

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7792

Ala Gln Ala Ala His Asp Ile Gly Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7793

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7793

Ala Gln Lys Asp Arg Pro Phe Val Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 7794

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7794

Ala Gln Leu Pro His Thr Lys Pro Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 7795

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7795

Ala Gln Pro Gly Lys Gly Val Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7796

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7796

Ala Gln Asp Arg Gln Asn Ala Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7797

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7797

Ala Gln Val Gln Pro Ser Leu Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7798

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7798

Ala Gln Lys Pro Thr Pro Ile Glu Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 7799

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7799

Ala Gln Leu Leu His Asp Met Lys Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7800

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7800

Ala Gln Asn Ser Asp Arg Thr Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7801

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7801

Ala Gln Lys Val Gly His Gly Phe Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7802

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7802

Ala Gln Thr Lys Pro Ala Val Ser Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 7803

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7803

Ala Gln Ala Met Thr Asn Ile Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7804

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7804

Ala Gln Phe Ser His Met Ser Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7805

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7805

Ala Gln Gly Ser Val Arg Asp Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7806

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7806

Ala Gln Ser Ser Ser Gln Gly Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7807

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7807

Ala Gln Leu Val Gly Arg Pro Val Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7808

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7808

Ala Gln Ile Asn Tyr Gly Val Gln Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7809

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7809

Ala Gln Ile Asn Lys Asp Asn Asn Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7810

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7810

Ala Gln Ser Gly Gln Ser Ser Ala Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7811

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7811

Ala Gln Glu Tyr Asn Ser Thr Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7812

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7812

Ala Gln Phe Met Thr Leu Glu Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7813

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7813

Ala Gln Phe Gly Lys Asp Tyr Val Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7814

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7814

Ala Gln Leu Leu Leu Gly Gly Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7815

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7815

Ala Gln Thr Thr Thr Tyr Thr Arg Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7816

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7816

Ala Gln Asp Arg Gly Met Arg Gly Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7817

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7817

Ala Gln Ala Val Ser Gly Thr Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7818

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7818

Ala Gln Asn Phe Ser Gly Val Ala Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7819

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7819

Ala Gln Asp Arg Asn Asn Ser Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7820

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7820

Ala Gln Ile Pro Gln Arg Pro Leu Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7821

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7821

Ala Gln Pro Ala Ala Asn Gln Tyr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7822

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7822

Ala Gln Tyr Ser Gly Thr Ala Ile Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7823

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7823

Ala Gln Trp Val Gln Arg Thr Glu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7824

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7824

Ala Gln Pro Lys Asp Gly Gly Ala Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7825

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7825

Ala Gln Leu Ala Thr Pro Gln Glu Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 7826

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7826

Ala Gln Leu Asn Ser Pro Val Met Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7827

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7827

Ala Gln Gly Ala Thr Gly Thr Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7828

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7828

Ala Gln Arg Thr Asp Val Arg Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7829

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7829

Ala Gln Arg Asn Leu Ala His Pro Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7830

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7830

Ala Gln Leu Ser Thr Ser Tyr Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7831

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7831

Ala Gln Gly Val Asn Gln Thr Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7832

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7832

Ala Gln Leu Pro Ala Ser Ser Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7833

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7833

Ala Gln Gln Leu Tyr Ser Val Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7834

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7834

Ala Gln Val Gly Thr Tyr Thr Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7835

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7835

Ala Gln Arg Ser Met Thr Val Ile Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 7836

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7836

Ala Gln Phe Gly Arg Gly Asp Thr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7837

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7837

Ala Gln Ala Ala Gly Arg Ser Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7838

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7838

Ala Gln Met Pro Gln Ser Ser Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7839

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7839

Ala Gln Pro Ser Lys His Glu Arg Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7840

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7840

Ala Gln Leu Phe Asp Ser Ser Lys Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7841

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7841

Ala Gln Ser Pro Gln Pro Arg Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7842

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7842

Ala Gln Arg Arg Pro Asp Val Glu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7843

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7843

Ala Gln Pro Met Gly Ser Ala Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7844

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7844

Ala Gln Trp Ser Thr Gly Met Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7845

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7845

Ala Gln Gly Leu Val Arg Asn Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7846

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7846

Ala Gln Glu Gly Ser Tyr Ser Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7847

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7847

Ala Gln Ala Thr Ser Met Leu Thr His Ala Gln

1 5 10

<210> 7848

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7848

Ala Gln Ser Thr Thr Gly Pro Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7849

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7849

Ala Gln Arg Gly Ala Ser Val Ser Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7850

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7850

Ala Gln Val His Glu His Gly Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7851

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7851

Ala Gln His Ser Pro Ser Gln Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7852

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7852

Ala Gln Gly Ile Gly Gln Asn Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7853

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7853

Ala Gln His Arg Val Glu Asn Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7854

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7854

Ala Gln Thr Glu Phe Lys Pro Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7855

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7855

Ala Gln Tyr Gly Asn Leu Gly Val Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7856

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7856

Ala Gln Leu Thr Arg Val Leu Thr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7857

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7857

Ala Gln Met Lys Asn Ser Asn Gly Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7858

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7858

Ala Gln Gly Thr Gln Thr His Leu Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7859

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7859

Ala Gln Asn Ala Leu Ala Arg Thr Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7860

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7860

Ala Gln Asn Asn Ser Met Gln Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7861

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7861

Ala Gln Gln Gln Gly Asn Gly Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7862

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7862

Ala Gln Leu Thr Lys Ser Gln Gly Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7863

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7863

Ala Gln Ala Pro Ala Glu Pro Lys Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7864

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7864

Ala Gln Tyr Ser Asn Gln Val Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7865

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7865

Ala Gln Thr Arg Thr Gly Phe Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7866

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7866

Ala Gln Pro Val Tyr Lys Thr Asp Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7867

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7867

Ala Gln Ser Asp Arg Pro Ala Pro Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 7868

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7868

Ala Gln Val Gln Glu Lys Ser Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7869

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7869

Ala Gln Ser Gly Gly Leu Thr Glu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7870

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7870

Ala Gln Ser Gly Gly Thr Arg Glu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7871

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7871

Ala Gln Ala Val Pro Gly Glu Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7872

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7872

Ala Gln Pro Arg Pro Glu Arg Met Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7873

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7873

Ala Gln Ser Asn Gly Asn Ile Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7874

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7874

Ala Gln Ala Arg Thr Glu Arg Asn Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7875

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7875

Ala Gln Ser Pro Gln Gln Phe Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7876

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7876

Ala Gln Ser Thr Gly Pro Phe Pro Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7877

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7877

Ala Gln Ala Asn Ile Gly Thr Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7878

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7878

Ala Gln Tyr Arg Asp Asn Thr Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7879

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7879

Ala Gln Val Gln Thr Arg Ser Pro Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7880

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7880

Ala Gln Ile His Thr Ser Ile Val Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7881

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7881

Ala Gln Met Thr Arg Thr Ser Ser Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 7882

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7882

Ala Gln Pro Ser Asn Phe Pro Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7883

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7883

Ala Gln Met Ile Gly Gly Thr Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7884

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7884

Ala Gln Lys Leu Asp Lys His Glu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7885

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7885

Ala Gln Leu Thr Ser Ser Asn Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7886

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7886

Ala Gln Ser Thr Arg Asp Thr His Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 7887

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7887

Ala Gln Asp Thr Leu Lys Ala Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7888

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7888

Ala Gln Gln Arg Asn Pro Ser Leu His Ala Gln

1 5 10

<210> 7889

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7889

Ala Gln Ser Gly Asp Gly Asn Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7890

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7890

Ala Gln Gly Val Tyr Lys Thr Leu His Ala Gln

1 5 10

<210> 7891

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7891

Ala Gln Ile Asn Ser Asn Gln Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7892

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7892

Ala Gln His Tyr Asn Glu His Met Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7893

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7893

Ala Gln Thr Val Gln Val Arg Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7894

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7894

Ala Gln Gly Asn Asp Ile Arg Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7895

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7895

Ala Gln Val Ser Val Ser Met Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7896

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7896

Ala Gln Phe Lys Thr Asn Ile Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7897

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7897

Ala Gln Phe Pro Lys Val Glu Arg Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7898

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7898

Ala Gln Leu Ser Lys Phe Gln Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7899

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7899

Ala Gln Ser Leu Met Asn Ser Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7900

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7900

Ala Gln Gly Arg Gly Val Leu Glu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7901

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7901

Ala Gln Pro Asn Gly Ser Gln Met Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7902

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7902

Ala Gln Pro Thr Val Gly Asn Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7903

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7903

Ala Gln Ser Ser Asp Ile Met Lys Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7904

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7904

Ala Gln Leu Met Thr Ser Ala Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7905

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7905

Ala Gln Pro Ala Met Ser Ser Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7906

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7906

Ala Gln Arg Asp Lys Ala Ile Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7907

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7907

Ala Gln Leu Thr Leu Lys Gln Gly Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7908

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7908

Ala Gln Ser His Ala Asn Gly Phe Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7909

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7909

Ala Gln Pro Asn Leu Lys Ala Pro Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7910

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7910

Ala Gln Ser Tyr Gly Arg Glu Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7911

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7911

Ala Gln Asn Asp Thr Gln Ser Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7912

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7912

Ala Gln Asp Glu Arg Ala Pro Lys His Ala Gln

1 5 10

<210> 7913

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7913

Ala Gln Asn Gly Arg Pro Met Gly Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7914

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7914

Ala Gln His Thr Gln Ser Val Thr Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7915

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7915

Ala Gln Asn Asn Phe Asn Ala Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7916

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7916

Ala Gln Glu Tyr Leu Lys Gly Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7917

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7917

Ala Gln Ser Lys Thr Pro Asp Met Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7918

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7918

Ala Gln Val Asn Thr Gly His Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7919

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7919

Ala Gln Gly Ser Gln Ser Asp Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7920

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7920

Ala Gln Ser Leu Thr Phe Ser Lys Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7921

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7921

Ala Gln Asn Ala Leu Glu Ser Arg Met Ala Gln

1 5 10

<210> 7922

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7922

Ala Gln Asn Gly Ile Ala Arg Glu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7923

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7923

Ala Gln Asn Leu Val Ser Val Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7924

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7924

Ala Gln Asp Met Leu Ser Tyr Lys Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7925

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7925

Ala Gln Arg Ser Thr Asp Ser Met Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7926

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7926

Ala Gln Glu Met Asn His Ser Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7927

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7927

Ala Gln Ala Leu Ser Lys Glu Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7928

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7928

Ala Gln Asn Gly His Asn Met Ser Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7929

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7929

Ala Gln Thr Thr Ala Glu Ala Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7930

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7930

Ala Gln Arg Glu Ser Ala His His Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7931

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7931

Ala Gln Met Phe Thr Gly Asn Gly Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 7932

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7932

Ala Gln His Leu Gln Thr Pro Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7933

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7933

Ala Gln Ser Leu Val Gly Gln Gly Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7934

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7934

Ala Gln Leu Pro Leu Thr Pro Ile Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7935

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7935

Ala Gln Ala Met Lys Gln Ser Ser Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7936

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7936

Ala Gln Tyr Pro Thr Asn Val Lys Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7937

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7937

Ala Gln Ser Asn Ser Leu Pro Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7938

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7938

Ala Gln Pro Thr Ala Ala Thr Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7939

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7939

Ala Gln Ile Ala Gln Asn Gly Pro Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7940

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7940

Ala Gln Thr Thr His Gln Leu Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7941

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7941

Ala Gln Leu Ile Pro Ala Arg Asp Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7942

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7942

Ala Gln Lys Ile Ala His Gly Asp Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7943

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7943

Ala Gln Ala Arg Pro Gln Ser Asp Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7944

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7944

Ala Gln Pro Arg Pro Asn Val Leu Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7945

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7945

Ala Gln Leu Asn Lys Gly Ser Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7946

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7946

Ala Gln Arg Val Tyr Asn Gly Asp Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7947

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7947

Ala Gln Thr Val Pro Ala Asn Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7948

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7948

Ala Gln Thr Arg His Thr Ser Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7949

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7949

Ala Gln Asn His Ala Val Thr Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7950

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7950

Ala Gln Leu Ala Ser His Ser Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7951

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7951

Ala Gln Val Ala Phe Lys Ser Gly Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7952

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7952

Ala Gln Arg Val Gly Pro Glu Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7953

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7953

Ala Gln Ala Pro Ser Asn Val His Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7954

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7954

Ala Gln Thr Arg Ser Glu Val Met Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7955

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7955

Ala Gln Leu Lys Glu Gln His Gly Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 7956

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7956

Ala Gln Lys Ala Glu Ser His Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7957

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7957

Ala Gln Tyr Arg Thr Asp Met Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7958

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7958

Ala Gln Asp Thr Gln Gly Arg Met Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7959

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7959

Ala Gln Cys Leu Pro Lys Gly Cys Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7960

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7960

Ala Gln Gly Ser Pro Thr Val Val His Ala Gln

1 5 10

<210> 7961

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7961

Ala Gln Leu Ser Leu Ser Thr Gln Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7962

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7962

Ala Gln Asn Met Ala Gln Asn Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7963

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7963

Ala Gln Leu Ser Thr Asn Val Leu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7964

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7964

Ala Gln Thr Ser Pro Val Ile Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7965

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7965

Ala Gln Pro Ser Ala Gly His Val Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7966

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7966

Ala Gln Leu Ser Gly Thr Ala Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7967

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7967

Ala Gln Thr Gly Asn Pro Asn Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7968

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7968

Ala Gln Gln Phe Glu His Ser Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7969

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7969

Ala Gln Leu Thr Pro Gly Gln Ile Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7970

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7970

Ala Gln Leu Met Asn Ala Lys Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7971

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7971

Ala Gln Gln Arg Asp Thr Asn Met Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7972

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7972

Ala Gln Asn Leu Leu Glu Ile Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7973

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7973

Ala Gln Asp Val Lys Asp Lys Gln Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7974

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7974

Ala Gln Val Thr Ile Ser Asn Lys Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7975

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7975

Ala Gln Ser Thr Pro Ile Asn Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 7976

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7976

Ala Gln Gly Thr His Gly Leu Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7977

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7977

Ala Gln Gln Ser Pro Gly Met Ile His Ala Gln

1 5 10

<210> 7978

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7978

Ala Gln Gln Thr Gly Pro Val Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7979

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7979

Ala Gln Thr Tyr Val Ser Ser Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7980

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7980

Ala Gln Thr Ser Thr Leu Pro Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7981

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7981

Ala Gln Tyr Thr His Lys Asp Asn Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 7982

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7982

Ala Gln Leu Gly Ala Gln Ser Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7983

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7983

Ala Gln Leu Ala Gln Val Arg Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7984

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7984

Ala Gln Gly Arg Val Val Ala Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7985

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7985

Ala Gln Ser Asn Arg Val Arg Asp Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7986

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7986

Ala Gln Glu Arg Asp Arg Glu Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7987

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7987

Ala Gln Lys Ser Gly Thr Ser Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7988

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7988

Ala Gln Ala Gly Gln Ser Thr Ile Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 7989

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7989

Ala Gln Glu Phe Ser Gln Pro Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 7990

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7990

Ala Gln Thr Tyr Ala Arg Ser Asp Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 7991

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7991

Ala Gln Gly Lys Phe Asn Gly His Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 7992

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7992

Ala Gln Arg Leu Ile Ser Asn Gly Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 7993

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7993

Ala Gln Leu Lys Glu Ser Leu Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 7994

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7994

Ala Gln Asn Arg His Thr Leu Ala Val Ala Gln

1 5 10

<210> 7995

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7995

Ala Gln Arg Asp Thr Arg Leu Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 7996

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7996

Ala Gln Val Ser Arg Leu Gly Ser Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7997

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7997

Ala Gln Leu Thr Thr Ser Val Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 7998

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7998

Ala Gln Phe Lys Gly Val Ala His Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 7999

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 7999

Ala Gln Lys Thr Thr Glu Ala Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8000

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8000

Ala Gln Arg Asn Gln His Asp Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8001

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8001

Ala Gln Asn Lys Leu Leu Pro Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8002

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8002

Ala Gln Val Asn Ser His Glu Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8003

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8003

Ala Gln Ala Lys Gly Ser Leu Asn Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8004

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8004

Ala Gln Val Lys Thr Asp Arg Val Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8005

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8005

Ala Gln Pro Arg Ser Asp Gln Ile Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8006

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8006

Ala Gln Asn Arg Val Gly Thr Glu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8007

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8007

Ala Gln Gly Val Pro Thr Ala Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8008

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8008

Ala Gln Ser Leu Met Lys Gln Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 8009

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8009

Ala Gln Gly Thr Ser Ser Asn Ile Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8010

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8010

Ala Gln Leu Arg Ser Asp Ile Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8011

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8011

Ala Gln Met Thr Thr Gly Arg Asp Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8012

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8012

Ala Gln Ser Gly Val Ala Asn Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8013

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8013

Ala Gln Ala Val Pro Ser Tyr Asn Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8014

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8014

Ala Gln Leu Asn Gly Gly Asn Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8015

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8015

Ala Gln Asn Ser His Ser Thr Ser Trp Ala Gln

1 5 10

<210> 8016

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8016

Ala Gln Met Tyr His Thr Gly Gln Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8017

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8017

Ala Gln Arg Asp Lys Leu Tyr Ile Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8018

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8018

Ala Gln Arg Lys Ser Glu Ala Val Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8019

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8019

Ala Gln His Lys Gly Ile Gln Val Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8020

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8020

Ala Gln Ile Gly Lys Asp Ala Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8021

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8021

Ala Gln Ser Leu Ala Gly Leu Gln Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8022

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8022

Ala Gln Phe Arg Val Ser Val Ala Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8023

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8023

Ala Gln Thr His Lys Glu His Ser Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8024

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8024

Ala Gln Asn Ser Asn His Thr Tyr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8025

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8025

Ala Gln Phe Asn Gly Val Arg Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8026

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8026

Ala Gln His Met Gly Met Arg Asp Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8027

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8027

Ala Gln Gly Gln Gln Ser Met Ala Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8028

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8028

Ala Gln Trp Ser Ser Gln Val Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8029

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8029

Ala Gln Gly Ser His Val Gly Met Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8030

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8030

Ala Gln Lys Gly Ser Leu Thr Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8031

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8031

Ala Gln Gly Ala Gln Ser Asn Ile Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8032

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8032

Ala Gln Asn Asp Tyr Asn His Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8033

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8033

Ala Gln Gln Ile Asn Pro Ser Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8034

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8034

Ala Gln Ala Leu Arg Gly Ala Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8035

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8035

Ala Gln Ser Ala Ser Thr Met Ser Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 8036

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8036

Ala Gln Leu Ser Ser Asn Asn Asn Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8037

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8037

Ala Gln Ser Thr Thr Leu Ala Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8038

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8038

Ala Gln His Arg Met Leu Asp Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8039

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8039

Ala Gln Ser Ser Glu Ser Ser Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8040

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8040

Ala Gln Leu Tyr Asp Ser Ser His Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8041

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8041

Ala Gln Gly Asn Tyr Asn Leu Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8042

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8042

Ala Gln Met His Asn Val Ala Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8043

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8043

Ala Gln Thr Asn Tyr Gly Asp Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8044

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8044

Ala Gln Asn Arg Gly Glu Asp Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8045

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8045

Ala Gln Phe Gly Lys Thr Ala Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8046

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8046

Ala Gln Asn Thr Lys Val Asn Thr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8047

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8047

Ala Gln Val Thr Gly His Leu Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8048

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8048

Ala Gln Val Ala Thr Ser His Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8049

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8049

Ala Gln Tyr Thr Pro Gly Ser Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8050

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8050

Ala Gln Gly Phe Thr Thr Val Thr His Ala Gln

1 5 10

<210> 8051

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8051

Ala Gln Ala Ala Ala Thr Ser Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8052

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8052

Ala Gln Ala Asn Ile His Val His Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8053

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8053

Ala Gln Tyr Ser Leu Arg Gly Asn Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8054

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8054

Ala Gln Ile Asp Gln Ile Val Gln Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8055

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8055

Ala Gln Phe Asn Ser Asp Leu Ala Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8056

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8056

Ala Gln Asn Met Glu Ser Gln Arg Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8057

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8057

Ala Gln Pro Leu Ser Ser Ser Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8058

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8058

Ala Gln Gln Gly Thr Leu His Ala Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8059

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8059

Ala Gln Pro Asp Arg Ala Thr Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8060

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8060

Ala Gln Ala Asn Gly Lys Ile Gln Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8061

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8061

Ala Gln Tyr Ser Lys Asp Arg His Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8062

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8062

Ala Gln Asp Ser Thr Ser Arg Ala Trp Ala Gln

1 5 10

<210> 8063

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8063

Ala Gln Gly Leu Ser Val Ala Ile Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8064

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8064

Ala Gln Ser Tyr Leu Thr Asn His Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8065

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8065

Ala Gln Val Ile Thr His Asn Met Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8066

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8066

Ala Gln Asn Arg Thr His Val Pro Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8067

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8067

Ala Gln Leu Gln Thr Thr Arg Ala Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8068

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8068

Ala Gln Ala Pro Asn Ala Ile Asp Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8069

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8069

Ala Gln Val Arg Asp Asn Thr Val Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8070

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8070

Ala Gln Thr Arg Ile Gly Thr Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8071

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8071

Ala Gln Thr Leu Thr Ser Gly Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8072

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8072

Ala Gln His Leu Asp Thr Met Arg Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8073

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8073

Ala Gln Leu Ser Ser Thr Thr Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8074

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8074

Ala Gln Val Gln Ser Asn Arg Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8075

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8075

Ala Gln Asn Asn Asn Ile Thr Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8076

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8076

Ala Gln Val Gly Thr Ala Gly Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8077

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8077

Ala Gln Pro Ala Ile Ser Thr Asp His Ala Gln

1 5 10

<210> 8078

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8078

Ala Gln Ser Asn Leu Gly Asn Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8079

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8079

Ala Gln Gln Asn Gln Ser Arg Phe Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8080

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8080

Ala Gln Ala Ser Lys Gly Met Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8081

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8081

Ala Gln Ala Thr Ala Gln Asp Lys Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8082

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8082

Ala Gln Trp Asp Ser Ser Ser Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8083

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8083

Ala Gln Thr Asn Gly Ser Glu Lys Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8084

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8084

Ala Gln Ser Ala Glu Asn His Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8085

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8085

Ala Gln Ser Val Pro Gln Ala Tyr Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8086

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8086

Ala Gln Lys Asp Tyr Val Val Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8087

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8087

Ala Gln Val Val Gln Met Lys Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8088

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8088

Ala Gln Arg Thr Leu Ser Leu Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8089

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8089

Ala Gln Asn Thr Val Val Gly Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8090

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8090

Ala Gln Ser Leu Asn Ser Pro Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8091

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8091

Ala Gln Thr Thr Gly Met Asp Val Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8092

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8092

Ala Gln Asn Asn Arg Asp Thr Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8093

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8093

Ala Gln Trp Gly Asn Tyr Thr Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8094

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8094

Ala Gln Gly Ile Thr Arg Ser Asp Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8095

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8095

Ala Gln His Ile Leu Arg Thr Pro Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8096

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8096

Ala Gln Arg Ser Ala Ser Val Glu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8097

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8097

Ala Gln Ser Leu Ser Leu Gly Lys Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8098

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8098

Ala Gln Lys Arg Glu Val Val Gly Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8099

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8099

Ala Gln Ile Gln Pro Ser Asn His Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8100

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8100

Ala Gln Met Asn Leu Gly Asn Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8101

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8101

Ala Gln Gln Pro Asn Asn Thr Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8102

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8102

Ala Gln Leu Gln Ser Met Val Gln Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8103

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8103

Ala Gln His Gly Asn Thr Thr Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8104

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8104

Ala Gln Ile Gln Ser Thr Val Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8105

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8105

Ala Gln Asp Asp Arg Gln Gly Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8106

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8106

Ala Gln Gln Thr Ala Thr Asn Ile Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8107

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8107

Ala Gln Arg Gln His Ala Asp Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8108

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8108

Ala Gln Thr Arg Ser Glu Ser Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8109

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8109

Ala Gln Arg Gly His Asp Pro Ala Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8110

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8110

Ala Gln Ser Thr Ser Gln Thr Asp Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8111

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8111

Ala Gln Val Ser Thr Ser Ala Val Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8112

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8112

Ala Gln Ser Met Pro Pro Glu Arg Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 8113

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8113

Ala Gln Val Thr Ser Ala His Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8114

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8114

Ala Gln Thr Ser Arg Gln Val Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8115

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8115

Ala Gln Thr Pro Lys Phe Ser Tyr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8116

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8116

Ala Gln Asn Arg Met Ala Ser Thr Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8117

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8117

Ala Gln Leu Leu Asp Asn Thr Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8118

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8118

Ala Gln Leu Thr Thr Ile Pro Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8119

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8119

Ala Gln Ala Asn Arg Ile Arg Asp Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8120

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8120

Ala Gln Pro Arg Asp Ile Gln Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8121

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8121

Ala Gln Met Pro His Gly Leu Lys Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8122

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8122

Ala Gln Pro Phe Thr Gln Asn His Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8123

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8123

Ala Gln Asn Ala Asn Gly Asn Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8124

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8124

Ala Gln Leu Ala Tyr Ser Thr Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8125

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8125

Ala Gln Thr Asp Arg Tyr Asn Ile Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8126

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8126

Ala Gln Tyr Val Thr Ser Ala Glu His Ala Gln

1 5 10

<210> 8127

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8127

Ala Gln Ser His Gln Gln Thr Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8128

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8128

Ala Gln Leu Asn Met Gln Thr Arg Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8129

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8129

Ala Gln Tyr Thr Pro Gln Leu Lys Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8130

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8130

Ala Gln Gln Ile Asn Gly Gln Val Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8131

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8131

Ala Gln Thr Arg Glu Gly Val Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8132

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8132

Ala Gln Val His Gln Ser Val Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8133

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8133

Ala Gln Pro Tyr Ser Met Gly His Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8134

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8134

Ala Gln Gly Thr Lys Thr His Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8135

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8135

Ala Gln Thr Leu Thr Thr Gly Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8136

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8136

Ala Gln Phe Thr Ile Gly Val Thr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8137

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8137

Ala Gln Leu Ser Ser His Asn His Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8138

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8138

Ala Gln Thr Gly Lys Met Pro Leu Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8139

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8139

Ala Gln Thr Ala Asn Pro His Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8140

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8140

Ala Gln His Asp Ser Val Ala Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8141

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8141

Ala Gln Thr Arg Ala Asp Val Leu Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8142

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8142

Ala Gln Ala Asn His Ala Ser Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8143

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8143

Ala Gln Ser His Ile Val Gly Val Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8144

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8144

Ala Gln Tyr Thr Ala Gln Lys Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8145

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8145

Ala Gln Leu Pro Ala Val Gln Lys Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8146

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8146

Ala Gln Ser Gly Ile Gln Thr Ala Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8147

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8147

Ala Gln Asp Pro Val Lys Ile Gly His Ala Gln

1 5 10

<210> 8148

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8148

Ala Gln Ser Gln Thr Met Ser Lys Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8149

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8149

Ala Gln Ser Leu Thr Pro Thr Asn Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8150

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8150

Ala Gln Tyr Leu Asn Asn Thr Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8151

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8151

Ala Gln Met Thr Arg Met Ser Gln Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8152

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8152

Ala Gln Val Asn Gln Ser Leu Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8153

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8153

Ala Gln Arg Thr Val Thr Asp Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8154

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8154

Ala Gln Ile Thr Gly Val Phe Ala Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8155

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8155

Ala Gln Ser Pro Gly Leu Ser Arg Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8156

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8156

Ala Gln Val Val Asn Pro Gln Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8157

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8157

Ala Gln Trp Ser Gln Ser Leu Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8158

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8158

Ala Gln Pro Arg Asp Ala Ser Asn Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8159

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8159

Ala Gln Tyr Thr Ser Met Thr Glu Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 8160

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8160

Ala Gln Asn Asn Ser Pro Ser Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8161

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8161

Ala Gln Asn Ser Leu Ser His Gly Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8162

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8162

Ala Gln Arg Val Ala Gly Glu Met Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8163

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8163

Ala Gln Gly Ile Gly Ser Arg Glu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8164

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8164

Ala Gln Tyr Val Ser Arg Ile Arg Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8165

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8165

Ala Gln Tyr Pro Ser Pro Asn Asp Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8166

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8166

Ala Gln Leu Gln Arg Thr Ala His Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8167

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8167

Ala Gln Leu Asp Ser Leu Ser Arg His Ala Gln

1 5 10

<210> 8168

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8168

Ala Gln Thr Lys Ile Ser Ala Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8169

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8169

Ala Gln Lys Asp Asn Ser Pro Val Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8170

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8170

Ala Gln Thr Gly Gln Gly Ser Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8171

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8171

Ala Gln Asp Thr His Leu Ser Arg His Ala Gln

1 5 10

<210> 8172

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8172

Ala Gln Asp Ile Val Arg Arg Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8173

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8173

Ala Gln Ala Met Lys Tyr Ala Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8174

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8174

Ala Gln Arg Leu Ala Asp Gln His Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8175

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8175

Ala Gln Ala Pro Asp Ser Thr Arg Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8176

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8176

Ala Gln Ser Arg Val Ser Pro Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8177

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8177

Ala Gln Val His Gly Gln Gly Glu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8178

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8178

Ala Gln Met Arg Asp Ser Ser Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8179

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8179

Ala Gln Trp Pro Gln His Thr Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8180

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8180

Ala Gln Val Gly Ser Tyr Pro Val Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8181

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8181

Ala Gln Thr Ala Thr Gln Gly Ala Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8182

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8182

Ala Gln Lys Asn Asn Ser Met Asp Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8183

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8183

Ala Gln His Thr Asn Ala Val Lys Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8184

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8184

Ala Gln Leu His Ser Val Thr Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8185

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8185

Ala Gln Ala Pro Gly Gln Gln Asn Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 8186

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8186

Ala Gln Ser Tyr Thr Asn Arg Thr Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8187

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8187

Ala Gln Ser Gly Gln Ser Asn Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8188

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8188

Ala Gln Asp Ser Tyr Arg Ala Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8189

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8189

Ala Gln Met Tyr Lys His Asn Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8190

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8190

Ala Gln Ser Leu Ala Met Val Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8191

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8191

Ala Gln Pro Leu Thr Ser Lys Ser Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8192

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8192

Ala Gln Leu Gly Ala Gln Pro Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8193

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8193

Ala Gln Glu Gly Asn Gln Lys Pro Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8194

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8194

Ala Gln Gln Val Arg Pro Gly Ala His Ala Gln

1 5 10

<210> 8195

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8195

Ala Gln Ser Gly Asn Ile Thr Ala Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8196

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8196

Ala Gln Asn Asp Ser Lys Ile Ala Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8197

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8197

Ala Gln Ile Met Lys Asn Glu His Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8198

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8198

Ala Gln Leu Leu Thr Asn Thr Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8199

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8199

Ala Gln Asp Thr Ala Gln Ser Arg Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8200

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8200

Ala Gln Ile Asp His Gly Lys Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8201

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8201

Ala Gln Thr Ser Pro Arg Ser Leu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8202

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8202

Ala Gln Ser Asn Pro Arg Asp Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8203

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8203

Ala Gln Ile Met Gln Ser Ile Gln Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8204

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8204

Ala Gln Lys Val Ser Pro Ser Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8205

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8205

Ala Gln Thr Gly Pro Ser Pro Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8206

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8206

Ala Gln Gly Ala Ala Arg Ala Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8207

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8207

Ala Gln Lys Phe Gln Ser Pro Glu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8208

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8208

Ala Gln Met Ala Thr Asn Ser Thr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8209

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8209

Ala Gln Asn Val Leu Thr Asn Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8210

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8210

Ala Gln Lys Asn Gly Met Asn Leu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8211

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8211

Ala Gln Thr Pro Thr Gln Pro Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8212

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8212

Ala Gln Thr Lys Glu Leu Val Ile His Ala Gln

1 5 10

<210> 8213

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8213

Ala Gln Ile Met Asn Gln Ser Val Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8214

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8214

Ala Gln Val Ser Asn Ala Arg Asp Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8215

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8215

Ala Gln Ser Asn His Thr Arg Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8216

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8216

Ala Gln His Thr Asp Arg Leu Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8217

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8217

Ala Gln Ala Ala Pro Ser Met Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8218

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8218

Ala Gln Phe Ser Asn Thr His Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8219

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8219

Ala Gln Ala His Asp Leu His Arg Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8220

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8220

Ala Gln Leu Gln Val Asn His Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8221

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8221

Ala Gln Ser Gly Pro Asn Leu Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8222

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8222

Ala Gln Thr Tyr Thr Ser Thr Pro Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8223

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8223

Ala Gln Tyr Gly Thr Pro Pro Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8224

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8224

Ala Gln Tyr Gly Val Ser Ser Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8225

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8225

Ala Gln Pro Thr Arg Asp Leu Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8226

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8226

Ala Gln Lys Ile Asp Ala Met Thr Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8227

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8227

Ala Gln Arg Ile Gly Thr Ser Glu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8228

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8228

Ala Gln Phe Asp Pro Leu Gln Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8229

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8229

Ala Gln Leu Leu His His Val Glu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8230

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8230

Ala Gln Val Thr Leu Gly Asn Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8231

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8231

Ala Gln Leu Leu Asn Asp Arg Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8232

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8232

Ala Gln Phe Val Asp Arg Arg Pro Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8233

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8233

Ala Gln Thr Asn Val Thr Thr Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8234

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8234

Ala Gln Asp Glu Thr Asn Lys Arg Trp Ala Gln

1 5 10

<210> 8235

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8235

Ala Gln Thr Ser Thr Ser Ala Ile Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8236

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8236

Ala Gln Gly Thr Ser Arg Val Gln Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8237

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8237

Ala Gln Leu Asn Thr Met Ala Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8238

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8238

Ala Gln Ser Thr His Ala Thr Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8239

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8239

Ala Gln His His Gly Val Thr Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8240

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8240

Ala Gln Gly Leu Met Ala Asn Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8241

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8241

Ala Gln Gly Ser Ser Ser Asn Ser Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 8242

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8242

Ala Gln Arg Glu Lys Met Thr Leu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8243

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8243

Ala Gln Ser Pro Val Ser Ser Asp Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8244

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8244

Ala Gln Asp Val Ala His Lys Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8245

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8245

Ala Gln Ser Met Val Ser Asn Ile Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8246

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8246

Ala Gln Met Met His Asn Met Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8247

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8247

Ala Gln Val Ser Asn Ser Ser Arg Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8248

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8248

Ala Gln Tyr Thr Ala Thr Lys Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8249

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8249

Ala Gln Ser Thr Ser Gly Gly Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8250

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8250

Ala Gln Phe Thr Arg Ala Glu Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8251

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8251

Ala Gln Pro Ile Thr Arg Gly Thr Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8252

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8252

Ala Gln Tyr His Asn Ser Met Leu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8253

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8253

Ala Gln Ser Asn Ser Pro Gly Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8254

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8254

Ala Gln Gln Lys Gly Val Gln Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8255

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8255

Ala Gln Arg Ser Glu Thr Asn Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8256

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8256

Ala Gln Val Asp Gln Met Leu Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8257

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8257

Ala Gln Gln Thr Arg His Thr Ser Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8258

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8258

Ala Gln Met His Ala Asp Arg Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8259

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8259

Ala Gln Ser Thr Thr His Ala Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8260

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8260

Ala Gln Ser Asn Gln Thr Ile Met Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8261

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8261

Ala Gln Val Ser Ser Pro Ser Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8262

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8262

Ala Gln Lys Arg Gly Glu Glu Met Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8263

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8263

Ala Gln Gln Asp Ser Gly Asn Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8264

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8264

Ala Gln Ser His Ala Thr Thr Gly Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8265

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8265

Ala Gln Lys Leu Ser Glu Thr Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 8266

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8266

Ala Gln Leu Asn Tyr Lys Glu Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8267

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8267

Ala Gln Ser Val Asp Ser Val Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8268

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8268

Ala Gln Gln Pro Asn Val Ile Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8269

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8269

Ala Gln Arg Met Thr Asn Leu Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8270

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8270

Ala Gln Ala Thr Pro Gly Gly Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8271

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8271

Ala Gln Asp Val Asn Ser Met Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8272

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8272

Ala Gln Leu Pro Arg Ser His Leu Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8273

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8273

Ala Gln Pro Ala Pro Arg Tyr Asp Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8274

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8274

Ala Gln Arg Asn Tyr Ser Asp Lys Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8275

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8275

Ala Gln Ser Glu Asn Leu Leu Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8276

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8276

Ala Gln Ser Ser Leu Asn Met Lys Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8277

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8277

Ala Gln Ser Asp Lys Glu Tyr Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8278

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8278

Ala Gln Tyr Val Ser Gln Ser Gly Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8279

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8279

Ala Gln Asn Val Val Ser Val Arg Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8280

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8280

Ala Gln Thr Gly Lys Glu Gly Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8281

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8281

Ala Gln Phe Lys Asn Thr Val Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8282

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8282

Ala Gln Gly Ser Arg Glu Pro Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8283

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8283

Ala Gln Arg Glu Lys Val Ser Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8284

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8284

Ala Gln Gln Glu Pro Ala Arg His Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8285

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8285

Ala Gln Thr Ser His Ser Asn Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8286

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8286

Ala Gln Asp Leu Ser Ser Pro Lys Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8287

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8287

Ala Gln Leu Ala Thr Thr Pro Lys Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8288

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8288

Ala Gln Ser Gly Pro Asn Val Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8289

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8289

Ala Gln Pro Val Tyr Asn Ala Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8290

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8290

Ala Gln Asn Ser Thr Thr Leu Val Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8291

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8291

Ala Gln Arg Asn Ala Val Val Ser Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8292

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8292

Ala Gln Lys Asp Leu Leu Ala Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8293

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8293

Ala Gln Pro His Glu Gly Ser Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8294

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8294

Ala Gln Arg Asp Thr Val Ser Arg Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8295

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8295

Ala Gln Gly Gln Ala Ala Gln Gly His Ala Gln

1 5 10

<210> 8296

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8296

Ala Gln Arg Ala Glu Thr Ala His Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8297

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8297

Ala Gln Glu Asn Arg Thr Val Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8298

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8298

Ala Gln Ser Ser Asn Asp Ala Arg Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8299

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8299

Ala Gln Pro Gly Gln Val Asp Arg Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8300

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8300

Ala Gln Gly Pro Gly Ala Asn Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8301

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8301

Ala Gln Met Pro Glu Asn Leu Lys Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8302

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8302

Ala Gln Thr Asn Ala Val Ala Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8303

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8303

Ala Gln Tyr Gly Lys Ile Glu Leu Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8304

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8304

Ala Gln Asn Pro Asn Gly Thr Gly Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 8305

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8305

Ala Gln Ser Arg Asn Thr Met Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8306

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8306

Ala Gln Pro Ser His Gly Ile Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8307

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8307

Ala Gln Leu Glu Thr Leu Arg Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8308

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8308

Ala Gln Asp Arg Ser Pro Asp Ile Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8309

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8309

Ala Gln Lys Asp Leu Ala Ser Ala Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8310

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8310

Ala Gln Ile Thr Ser His Gly Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8311

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8311

Ala Gln His Ser Lys Met Pro Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8312

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8312

Ala Gln Ile Ala Thr Phe Thr Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8313

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8313

Ala Gln Ala Ala Ser Gly Tyr Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8314

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8314

Ala Gln Asp Ser Val Arg Pro Ala Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8315

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8315

Ala Gln Arg Leu Ser Glu Glu Met Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8316

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8316

Ala Gln Leu Pro Ile Ser Ala Thr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8317

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8317

Ala Gln Ser Asn Val Ala Ala Gln Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8318

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8318

Ala Gln Tyr Gln Ser Leu Ile Ser Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8319

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8319

Ala Gln Tyr Gln Ser Gly Tyr Asp Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8320

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8320

Ala Gln Leu Arg Thr Gly Glu Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8321

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8321

Ala Gln Pro Ala Thr Asn Asn Met Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8322

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8322

Ala Gln Val Ser Ser Ser Lys Phe Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8323

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8323

Ala Gln Thr Thr Leu Leu Asp Lys Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8324

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8324

Ala Gln Ser Pro Ala Leu His Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8325

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8325

Ala Gln Phe Asn His Asn Arg Thr Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8326

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8326

Ala Gln Ala Glu Lys Thr Ala Asn Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8327

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8327

Ala Gln Asn Leu Arg Val Thr Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8328

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8328

Ala Gln Met Lys Asp Gly Ser Arg Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8329

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8329

Ala Gln Arg Ile Gly Ala Asn Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8330

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8330

Ala Gln Ala Asn Leu Thr Pro Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8331

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8331

Ala Gln Ser Val Ser Asp Lys Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 8332

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8332

Ala Gln Tyr Ser Thr Leu His Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8333

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8333

Ala Gln Thr Lys Phe Gly Gly Ile Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8334

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8334

Ala Gln Asp Ile Pro Lys Gly Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8335

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8335

Ala Gln Ile Leu Pro Ser Ser Ser Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8336

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8336

Ala Gln Val Ser Gln Thr Thr Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8337

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8337

Ala Gln Thr Ile His Leu His Lys Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8338

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8338

Ala Gln Val Thr Asp Arg Val Gly Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8339

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8339

Ala Gln Leu Pro Ala Arg Ala Ala Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8340

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8340

Ala Gln His Thr Gln Ser Met Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8341

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8341

Ala Gln Leu Leu Asn Ser Ser Gln Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8342

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8342

Ala Gln Arg Asn Ser Glu Leu Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8343

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8343

Ala Gln Gln Lys Ser Pro Asn Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8344

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8344

Ala Gln Lys Ser Gly Asp His Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8345

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8345

Ala Gln Gly Asn Arg Thr Thr Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8346

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8346

Ala Gln Met Val Ala Leu Thr Val Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8347

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8347

Ala Gln Leu Ser Ser Asn Ser Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8348

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8348

Ala Gln Ala Ser Asn Asn Gln Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8349

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8349

Ala Gln Asn Asn Ile Val Thr Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8350

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8350

Ala Gln His Asp Thr Lys Lys Pro Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8351

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8351

Ala Gln Ile Asn Thr Ala Ser Tyr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8352

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8352

Ala Gln Ser Gly Met Val Ser Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8353

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8353

Ala Gln Leu Val Thr Ala Ser Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8354

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8354

Ala Gln Ser Arg Ala Pro Ser Ala Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8355

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8355

Ala Gln Asn Asn Asn Gln Lys Val Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8356

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8356

Ala Gln Thr Ser Val Val Ala Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8357

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8357

Ala Gln Gly Asn Ala Gly Pro Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8358

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8358

Ala Gln Tyr Ser Thr Ser Leu Glu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8359

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8359

Ala Gln Pro Ser Asn Pro Pro Lys Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8360

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8360

Ala Gln Thr Asn Ser Lys Pro Ser Trp Ala Gln

1 5 10

<210> 8361

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8361

Ala Gln Ser Ile Asp Arg Gln Gln Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8362

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8362

Ala Gln Asn Lys Ala Gly Pro Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8363

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8363

Ala Gln Ser Met Thr Thr Asn Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8364

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8364

Ala Gln Gly Asn Ser Ala Val Gln Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8365

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8365

Ala Gln Arg Ser Ser Asp Val Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8366

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8366

Ala Gln His Asn Gly Val Gln Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8367

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8367

Ala Gln Glu Lys Asp His Gly Met Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8368

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8368

Ala Gln Tyr Arg Leu Pro Asp Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8369

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8369

Ala Gln Ser Ser Arg Glu Leu Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8370

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8370

Ala Gln Asn Gln Val Glu Ser Arg Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8371

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8371

Ala Gln Ala Leu His Ser Val Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8372

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8372

Ala Gln Thr Gly Pro Ser Thr Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8373

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8373

Ala Gln Glu Pro Leu Gly Val His Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8374

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8374

Ala Gln Thr Arg Thr Asp Thr Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8375

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8375

Ala Gln Ser His Asn Leu Thr Ala Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8376

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8376

Ala Gln Asn Val Arg Arg Asp Asp Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8377

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8377

Ala Gln Phe Ala Ala Asn Leu Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8378

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8378

Ala Gln Ile Gly Ala Gln Ala Arg Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8379

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8379

Ala Gln Asn Ser Met Ser Lys Ala Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8380

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8380

Ala Gln Asn Val Asn Lys Asp Arg Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8381

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8381

Ala Gln Ser Phe Gln Gly Ser Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8382

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8382

Ala Gln Ala Asn Ser Asp His Ile His Ala Gln

1 5 10

<210> 8383

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8383

Ala Gln Val Ser Leu Ala Ser Lys Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8384

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8384

Ala Gln Pro Lys Asp Arg Ala Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8385

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8385

Ala Gln Val Arg Ser Gln Ser Asp Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8386

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8386

Ala Gln Leu Gly Asn Ser Val Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8387

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8387

Ala Gln Ser Thr Lys Glu Ser Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8388

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8388

Ala Gln Leu Gln Pro Thr Thr Phe Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8389

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8389

Ala Gln Pro Met His Thr Ala Met Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8390

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8390

Ala Gln Val Phe Ala His Thr Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8391

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8391

Ala Gln Gln Lys Ala Thr Ser Ile His Ala Gln

1 5 10

<210> 8392

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8392

Ala Gln Gly Ser Lys Ser Asp Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8393

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8393

Ala Gln Ser Gly Thr Asn Val Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8394

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8394

Ala Gln Thr Lys Leu Thr Thr Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8395

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8395

Ala Gln Pro Ile Leu His Asn Gln Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8396

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8396

Ala Gln Val Thr Asn Pro Ile Lys Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8397

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8397

Ala Gln Thr Asn Ala Leu His Met Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8398

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8398

Ala Gln Val Ala His Ala Tyr Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8399

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8399

Ala Gln Ala Glu His Gly Leu Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8400

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8400

Ala Gln Met Asn Lys Tyr Ser Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8401

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8401

Ala Gln Thr Met Gln Asp Arg Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8402

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8402

Ala Gln Gly Val Lys Ile Leu Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8403

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8403

Ala Gln Ala Gln Asn Lys Met Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8404

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8404

Ala Gln Thr Ser Ala Leu Thr Asp Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8405

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8405

Ala Gln Asp Leu Arg His Ala Asp Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8406

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8406

Ala Gln Gln Asn Lys Ala Leu Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8407

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8407

Ala Gln Thr Gln Gly Ile Thr Ile Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8408

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8408

Ala Gln Thr Ala Thr Ile Leu Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8409

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8409

Ala Gln Phe Ala Ala Ser Asn Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8410

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8410

Ala Gln Arg Asn Thr Met Glu Thr Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8411

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8411

Ala Gln Ser Ser Gly Thr Ser Tyr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8412

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8412

Ala Gln Ala Asn His Gly Leu Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8413

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8413

Ala Gln Met Leu Ser Asn Ser Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8414

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8414

Ala Gln Ala Ala Ile His Ala Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8415

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8415

Ala Gln Trp Gln Ser Phe Ala Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8416

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8416

Ala Gln Met Gly Gly Asn Ser Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8417

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8417

Ala Gln Lys Thr Asp Leu Ala Gln His Ala Gln

1 5 10

<210> 8418

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8418

Ala Gln Val Asn Thr Thr Arg Phe Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8419

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8419

Ala Gln Asn Val His Ala His Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8420

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8420

Ala Gln Gly Ala Met Ser Ile Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8421

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8421

Ala Gln Ala Arg Gly Pro Thr Ile Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8422

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8422

Ala Gln Thr Met His Ser Lys Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8423

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8423

Ala Gln Thr Val Thr Gln Thr Thr Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8424

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8424

Ala Gln Gly Asn Thr Asn Ser Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8425

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8425

Ala Gln Arg Val Ile Ala Ser Val Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8426

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8426

Ala Gln Pro Ser Ser Gly Asn Ser Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8427

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8427

Ala Gln Gln Pro His Gly Phe Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8428

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8428

Ala Gln Thr Thr Gly Thr Asn Met Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8429

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8429

Ala Gln Phe Thr Arg Leu Glu Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8430

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8430

Ala Gln Asp Arg Ser Pro Ala His Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8431

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8431

Ala Gln His Val His Asn Thr Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8432

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8432

Ala Gln Met Asn Thr Thr Gly Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8433

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8433

Ala Gln Phe Ala Thr Gln Thr Ile Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8434

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8434

Ala Gln Val Ser Gly Asn Ile Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8435

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8435

Ala Gln Asp Gly Arg Asn Ile Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8436

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8436

Ala Gln Met Leu Pro Thr Val Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8437

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8437

Ala Gln Pro Thr Thr Asn Val Leu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8438

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8438

Ala Gln Arg Glu Met His Gly Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8439

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8439

Ala Gln Ser Pro Tyr Ser Thr Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8440

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8440

Ala Gln Tyr Asn Met Asn Thr Glu Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8441

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8441

Ala Gln Gly Ala Arg Met Gly His Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8442

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8442

Ala Gln Phe Ser Pro Gly Tyr Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8443

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8443

Ala Gln Gln Gln His Ile Pro Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8444

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8444

Ala Gln Leu Ser Thr Ser Leu Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8445

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8445

Ala Gln Val Asn Gly Ile Lys Glu Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8446

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8446

Ala Gln Gly Val Arg Thr Glu Pro Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8447

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8447

Ala Gln Arg Asn Asn Asp Ser Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8448

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8448

Ala Gln Phe Asn Ala Ser Pro Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8449

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8449

Ala Gln Gly Leu Thr Thr Ser Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8450

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8450

Ala Gln Met Ile Arg Gly Thr Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8451

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8451

Ala Gln Thr Lys Leu Val Ala Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8452

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8452

Ala Gln Val Ser Arg Gln Phe Glu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8453

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8453

Ala Gln Asn Gly Asp Ser Leu Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8454

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8454

Ala Gln Thr Gln Asn Leu Ser Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 8455

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8455

Ala Gln Thr Val Thr Gly Ser Leu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8456

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8456

Ala Gln Gly Arg Gly Pro Glu Ala Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8457

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8457

Ala Gln Pro Arg Asn Val Gly Leu Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8458

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8458

Ala Gln Phe Asn Ser Ser Ile Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8459

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8459

Ala Gln Gly Asn Gln Gln His Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8460

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8460

Ala Gln Pro Ile Thr Asn Gly Ser Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 8461

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8461

Ala Gln Val Gln Arg Thr Pro Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8462

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8462

Ala Gln Thr Pro Tyr Ala Gly Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8463

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8463

Ala Gln Leu Ala Leu Ser Asn Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8464

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8464

Ala Gln Gly Gln Met Ala Thr Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8465

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8465

Ala Gln Ser Asn Pro Ala Thr Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8466

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8466

Ala Gln Gly Arg Thr Thr Ser Asp Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8467

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8467

Ala Gln Ser Arg Leu Thr Ser Leu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8468

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8468

Ala Gln His Leu Ser Thr Pro Asp Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8469

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8469

Ala Gln Met Pro His Ala Pro Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8470

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8470

Ala Gln Val Ala Gly Met Leu Thr His Ala Gln

1 5 10

<210> 8471

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8471

Ala Gln Val Ala Ser Gln Lys Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8472

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8472

Ala Gln Thr Gln Ser Met Thr Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8473

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8473

Ala Gln Pro Ile Ser Thr Met Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8474

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8474

Ala Gln Ala Gln Leu Asn Ser Ala Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8475

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8475

Ala Gln His Leu Pro Lys Tyr Glu His Ala Gln

1 5 10

<210> 8476

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8476

Ala Gln Gly Val Gln Ala Val Val Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8477

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8477

Ala Gln Gly Asp Thr Gln Tyr Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8478

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8478

Ala Gln Ala Ser Pro Leu Val Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8479

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8479

Ala Gln Ser Asn Ala Gly Met Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8480

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8480

Ala Gln Arg Ser Val Ser Ala Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8481

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8481

Ala Gln Pro Ser Tyr His Lys Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8482

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8482

Ala Gln His Gln Phe Thr Ser Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8483

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8483

Ala Gln Asn Gln Ser Pro Ile Gly Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8484

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8484

Ala Gln Gly Ala Ala Gly Met Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8485

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8485

Ala Gln Thr Val Lys Thr Tyr Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8486

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8486

Ala Gln Leu Ser Met Thr Ser Gln Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8487

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8487

Ala Gln Gly Leu Ser Pro Thr Phe Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8488

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8488

Ala Gln Met Asp Thr Val Met Lys Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8489

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8489

Ala Gln Arg Asp Lys Ile Ser Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8490

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8490

Ala Gln Asp Ser Asn Ser Tyr Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8491

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8491

Ala Gln Ser Leu Lys Ser Ser Pro Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 8492

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8492

Ala Gln Leu Asp Arg Thr Ala Lys Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8493

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8493

Ala Gln Pro Ser Arg Ala Pro Asp Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8494

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8494

Ala Gln Tyr Leu Asn Gln Ile Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8495

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8495

Ala Gln Gln Asn Arg Ser Val Val Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8496

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8496

Ala Gln Gln Glu Ser Met Val Lys Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8497

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8497

Ala Gln Lys Leu Ser Gln Glu Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8498

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8498

Ala Gln Arg Gly Thr Met Glu His Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8499

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8499

Ala Gln Gln Ser Gly Pro Gly Ile Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8500

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8500

Ala Gln Leu Asn Gln Gly Asp Leu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8501

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8501

Ala Gln Ala Lys Thr Ile Gly Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8502

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8502

Ala Gln Asp Ser Gly Asn Arg Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8503

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8503

Ala Gln Leu Ser His Ser Thr Ser Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 8504

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8504

Ala Gln Gly Asp Phe Ser Ser Lys Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8505

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8505

Ala Gln Asp His Ser Asn Ala Tyr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8506

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8506

Ala Gln Val Pro Thr Asp Arg Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8507

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8507

Ala Gln Ser Met Gln Leu Ile Asn Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8508

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8508

Ala Gln Tyr Ala Asn Ser Val Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8509

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8509

Ala Gln Val Tyr Leu Ala Ser Gly Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8510

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8510

Ala Gln Leu Ile Pro Val Thr Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8511

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8511

Ala Gln Gly Asn Met Asn Ser Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8512

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8512

Ala Gln Ser His Asn Asp Arg Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8513

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8513

Ala Gln His Arg Ile Pro Thr Ala Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8514

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8514

Ala Gln Met Gly Lys Asp Tyr Thr His Ala Gln

1 5 10

<210> 8515

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8515

Ala Gln Ser His Ala Ser Thr Pro Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8516

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8516

Ala Gln Leu Asn Ser Gln Thr Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8517

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8517

Ala Gln Arg Thr Leu Ser Asp Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8518

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8518

Ala Gln Leu Thr Thr Ala Lys Thr Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 8519

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8519

Ala Gln Arg Ile Val Gly Ser Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8520

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8520

Ala Gln Thr Lys Thr Leu Ala Leu His Ala Gln

1 5 10

<210> 8521

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8521

Ala Gln Trp Glu Val Pro Ala Arg Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8522

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8522

Ala Gln Ile Ser Asn Pro Ala Ile Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8523

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8523

Ala Gln Leu Gly Ala Ser Gln Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8524

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8524

Ala Gln Leu Ser Thr His Asn Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8525

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8525

Ala Gln Arg His Thr Asp Ile Asp Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8526

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8526

Ala Gln Gly Arg Pro Val Ile Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8527

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8527

Ala Gln Ala Asn Leu Arg Asp Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8528

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8528

Ala Gln Val Gln Ser Pro Ser Ile Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8529

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8529

Ala Gln Phe Thr Ser Gly Ser His Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8530

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8530

Ala Gln Pro Leu Gln Gln Ser Gly His Ala Gln

1 5 10

<210> 8531

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8531

Ala Gln Ala Arg Val Ala Thr Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8532

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8532

Ala Gln Pro Gly Arg Gln Asn Asp Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8533

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8533

Ala Gln Lys Tyr Ser Ser Thr Ala Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8534

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8534

Ala Gln His Ser Thr His Tyr Ile Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8535

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8535

Ala Gln Gln Pro Leu Asn Ala Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8536

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8536

Ala Gln Lys Thr Gln Glu Thr Gly Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8537

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8537

Ala Gln Ser Glu Leu Ser Arg His Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8538

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8538

Ala Gln Gly Pro Lys Thr Ile Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8539

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8539

Ala Gln Ser His Ser Ile Val Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8540

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8540

Ala Gln His Ser Asn Thr Val Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8541

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8541

Ala Gln Val Ala Gly Leu Thr Val Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8542

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8542

Ala Gln Ala Asn Pro Gly Leu Ala Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8543

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8543

Ala Gln Ala Ser Val Gln Met Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8544

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8544

Ala Gln Leu Val Thr Ala Gln Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8545

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8545

Ala Gln Thr Thr Arg Tyr Thr Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8546

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8546

Ala Gln Met Asp Thr Asp Lys Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8547

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8547

Ala Gln Gly Thr Ser Val Gln Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8548

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8548

Ala Gln Arg Ala Ser Pro Gln Gln Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8549

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8549

Ala Gln Val Ser Ser Glu His Arg Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8550

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8550

Ala Gln Ser Asn Met Lys Ile Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8551

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8551

Ala Gln Asn Leu Arg Ile Glu Pro Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8552

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8552

Ala Gln Pro Thr Glu Ser Leu Arg Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8553

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8553

Ala Gln Thr Asn Arg Gly Leu Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8554

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8554

Ala Gln His Glu Lys Thr Ala Tyr Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8555

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8555

Ala Gln Asn Val Ile Ser Lys Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8556

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8556

Ala Gln Gly Thr Ala Gly Phe Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8557

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8557

Ala Gln Ile Ala Gln Met Gly Val Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8558

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8558

Ala Gln Thr Ser Lys Asp Val Lys Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8559

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8559

Ala Gln Ile Ile Gly Ala Arg Asp Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8560

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8560

Ala Gln Leu Arg Asp Thr Gly Leu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8561

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8561

Ala Gln Leu Ser Asn Ser Leu Gly Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8562

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8562

Ala Gln Asn Val Leu Asn Ser Arg Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8563

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8563

Ala Gln Phe Arg Gly Ser Gly Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8564

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8564

Ala Gln Asn Pro Glu Leu Pro Arg Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8565

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8565

Ala Gln Thr Ser Ser Ser Phe Lys Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8566

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8566

Ala Gln Asn Arg Glu Tyr Met Thr His Ala Gln

1 5 10

<210> 8567

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8567

Ala Gln Thr Pro Gly Val Ala His Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8568

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8568

Ala Gln Thr Gln Ser Ser Glu Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8569

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8569

Ala Gln Arg Gly Glu Pro Ile Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8570

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8570

Ala Gln Ser Leu Thr Ser Leu Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8571

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8571

Ala Gln Thr Val Leu His Thr Arg Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8572

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8572

Ala Gln Leu Ser Lys Ser Gly Ala Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8573

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8573

Ala Gln Ala Asn Gly Asn Gln Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8574

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8574

Ala Gln Phe Val Thr Ser Ser Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8575

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8575

Ala Gln Gly Ala Asn Asn His Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8576

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8576

Ala Gln His Ala Ser Asp Val Asn Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8577

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8577

Ala Gln Gly His His Thr Ser Asp Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8578

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8578

Ala Gln Asp Lys Asn Pro Gly Val His Ala Gln

1 5 10

<210> 8579

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8579

Ala Gln Ser Arg Asn Ser His Ile Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8580

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8580

Ala Gln Gln Ala Ser Ser Asp His Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8581

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8581

Ala Gln Leu Arg Asp Thr Pro Tyr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8582

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8582

Ala Gln Ser Leu Ala Ala Thr Arg Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8583

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8583

Ala Gln Gly His Val Asn Asn Ala Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8584

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8584

Ala Gln Ile Gly Gly Leu Thr Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8585

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8585

Ala Gln Ser Lys Glu Arg Asn Gly Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8586

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8586

Ala Gln Leu Asn Ser Gly Ser Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8587

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8587

Ala Gln Thr Met Ser Thr Thr Tyr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8588

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8588

Ala Gln Gly Ala Asp Asn Arg Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8589

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8589

Ala Gln Thr Gln Asn Asn Gly Asp Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8590

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8590

Ala Gln Asn Gly Pro Ser Val Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8591

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8591

Ala Gln Thr Ala Leu Arg Asp Val Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8592

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8592

Ala Gln Arg Thr Met Gly Thr Thr Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8593

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8593

Ala Gln Thr Arg Gly Thr Thr Val Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8594

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8594

Ala Gln Thr Val Ser Arg Val Gln Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8595

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8595

Ala Gln Arg Leu Asp Thr Ser Ala Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8596

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8596

Ala Gln Leu Met Thr Lys Gly Leu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8597

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8597

Ala Gln Pro Met Arg Met Gln Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8598

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8598

Ala Gln Val Val Leu Gly Ser Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8599

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8599

Ala Gln Ser Asn Asn Gly Asn Gly His Ala Gln

1 5 10

<210> 8600

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8600

Ala Gln Arg Gly Pro Asp Leu Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8601

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8601

Ala Gln Gly Phe Asn Ser Met Lys Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8602

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8602

Ala Gln Leu Asn Ser Asn Pro Met Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8603

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8603

Ala Gln Leu Ser Asn Arg Val Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8604

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8604

Ala Gln Ser Arg Met Glu Gly Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8605

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8605

Ala Gln Ser Glu Gln Tyr Val Arg Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8606

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8606

Ala Gln Ser Asn Leu Ala Asn Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8607

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8607

Ala Gln Val Ser Met Gln Arg Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8608

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8608

Ala Gln Phe His Gly Gln Gly Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8609

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8609

Ala Gln Thr Gly Ala Ile Asn Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8610

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8610

Ala Gln Thr Leu Phe Lys Asn Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8611

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8611

Ala Gln Val Val Pro Ile Ser Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8612

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8612

Ala Gln Ala Lys Gly Thr Ala Leu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8613

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8613

Ala Gln Arg Asp Thr Val Gln Val Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8614

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8614

Ala Gln Leu Gly Thr Lys Ala Thr His Ala Gln

1 5 10

<210> 8615

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8615

Ala Gln Asp Asn Val Arg Val Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8616

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8616

Ala Gln Thr Arg Pro Gly Ser His Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8617

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8617

Ala Gln Ala Gln Leu Ala Pro Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8618

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8618

Ala Gln Ser Thr Met Arg Thr Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8619

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8619

Ala Gln Met Asn Gln Thr Ser Ala Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8620

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8620

Ala Gln Ser Arg Ser Ser Pro Thr Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8621

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8621

Ala Gln Ser Ala Leu Asn Gln Tyr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8622

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8622

Ala Gln Ile Ser Thr Thr Thr Arg Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8623

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8623

Ala Gln Ser Arg Asp Thr Pro Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8624

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8624

Ala Gln Asn Phe Asn Lys Gln Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8625

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8625

Ala Gln Pro Ser Asn Thr Ser Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8626

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8626

Ala Gln Thr Val Ser Thr Asn Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8627

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8627

Ala Gln Asn Met Ser Gln Thr Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8628

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8628

Ala Gln Ile Gly Lys Ser Ser Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8629

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8629

Ala Gln Arg Glu Thr Glu Thr Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8630

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8630

Ala Gln Pro Tyr Thr Pro Leu Thr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8631

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8631

Ala Gln Ala Glu Tyr Asn Thr Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8632

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8632

Ala Gln Gly Arg Asn Ala Glu Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8633

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8633

Ala Gln Thr Phe Asn His Thr Thr Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8634

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8634

Ala Gln Thr His Leu Ser Thr Leu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8635

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8635

Ala Gln Leu Lys Gly Ile Ser Gln His Ala Gln

1 5 10

<210> 8636

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8636

Ala Gln Tyr Ser Ser Gly Met Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8637

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8637

Ala Gln Thr Ala Ile Thr Met Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8638

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8638

Ala Gln Arg Gly Asn Glu Leu Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8639

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8639

Ala Gln Val Val Ser Ser Gln Met Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8640

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8640

Ala Gln His Gln His Glu Asn Met Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8641

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8641

Ala Gln Ser Phe Gly Gly Val Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8642

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8642

Ala Gln Leu Met Arg Asp Ser Lys Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8643

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8643

Ala Gln Met Arg Thr Asn Leu Ser Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8644

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8644

Ala Gln Pro Asn Asn Pro Val Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8645

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8645

Ala Gln Arg Val Ser Gln Ser Met Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8646

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8646

Ala Gln Ala Glu Gly Pro Gln Lys Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8647

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8647

Ala Gln Leu Asn Ser Val Val His Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8648

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8648

Ala Gln Leu Leu Thr Leu Asn Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8649

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8649

Ala Gln Thr Leu Ala Pro Arg Arg Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8650

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8650

Ala Gln Arg Val Ala Asn Pro Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8651

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8651

Ala Gln Leu Pro Asp Pro Arg Leu Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8652

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8652

Ala Gln Lys Met Asp Val Gly Glu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8653

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8653

Ala Gln Gly Pro Ser Pro Met Val Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8654

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8654

Ala Gln Gly Thr Asn Lys Ala Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8655

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8655

Ala Gln Leu Ser Ala His Gly Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8656

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8656

Ala Gln Thr Ser Arg Tyr Asn Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8657

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8657

Ala Gln Gly Pro Asn Ser Ser Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8658

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8658

Ala Gln Ser Val Gly Arg Ala Pro Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8659

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8659

Ala Gln Phe Gln Gly Glu Lys Thr Trp Ala Gln

1 5 10

<210> 8660

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8660

Ala Gln Thr Ser Ser Ala Arg Thr Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8661

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8661

Ala Gln Ala Glu Arg Thr Gly Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8662

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8662

Ala Gln Leu Asn Leu Gly Thr Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8663

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8663

Ala Gln Ala Ala Pro Val Gly Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8664

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8664

Ala Gln Met Arg Gln Ala Asn His Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8665

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8665

Ala Gln Glu Gln Gln Arg Asp Val Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8666

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8666

Ala Gln Pro Lys Ser Asp Glu Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8667

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8667

Ala Gln Asn Ala Arg Val Gln Glu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8668

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8668

Ala Gln Thr Thr Val Ala Thr Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8669

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8669

Ala Gln Thr Glu Val Ser His Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8670

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8670

Ala Gln Ser Ser Thr Val Lys Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8671

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8671

Ala Gln Ile Asp Ser His Leu Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8672

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8672

Ala Gln Gly Ser Thr Gln Leu Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8673

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8673

Ala Gln Asp Gly Ser Pro Ala Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8674

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8674

Ala Gln Gln Thr Gly Asn Ser Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8675

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8675

Ala Gln Arg Gln Asp Val Asn Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8676

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8676

Ala Gln Leu Asp Tyr Gly Val Lys Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8677

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8677

Ala Gln Gly Ser Arg Pro Glu Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8678

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8678

Ala Gln Trp Ser Asn Met Thr Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8679

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8679

Ala Gln Thr Asn Thr Thr Arg Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8680

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8680

Ala Gln Pro Tyr Ala Glu Arg Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8681

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8681

Ala Gln Thr Ser Ser Ala Thr Val Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8682

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8682

Ala Gln Ala Gln Thr Asp Phe Arg Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8683

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8683

Ala Gln Asn Ser Gly Asn Glu His Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8684

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8684

Ala Gln Lys Pro Leu Ile Asn Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8685

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8685

Ala Gln Met Gly Ser Ser Ser Ala Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 8686

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8686

Ala Gln Ile Gly Asn Lys Thr Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8687

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8687

Ala Gln Ala Ala Asn Thr Ala Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8688

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8688

Ala Gln Leu Val Asp Gln Arg Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8689

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8689

Ala Gln Gln Val Lys Leu Gly Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8690

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8690

Ala Gln Leu Thr Ser Asn Thr His Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8691

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8691

Ala Gln Val Tyr Ser Ala Ile Asn Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8692

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8692

Ala Gln Arg Ala Asn Gly Ser Asp Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8693

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8693

Ala Gln Asn Leu Lys Ser Gln Thr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8694

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8694

Ala Gln Ser Tyr Gly Asn Glu Ile Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8695

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8695

Ala Gln Leu Thr Arg Gly Ala Ile Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8696

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8696

Ala Gln Pro Ile Arg Thr Val Asp Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8697

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8697

Ala Gln Arg Ser Met Pro Asp Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8698

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8698

Ala Gln Thr Ala His Thr Gly Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8699

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8699

Ala Gln Ser Gln Gly Ser Pro Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8700

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8700

Ala Gln Leu Gln Ala Ile Ala His Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8701

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8701

Ala Gln Gly Asn Ser Leu Ser Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8702

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8702

Ala Gln Leu Thr His Arg Glu Ala Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8703

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8703

Ala Gln Thr Leu His Leu Ala Lys Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8704

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8704

Ala Gln Asn Ile Ser Ser Ser Gly Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8705

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8705

Ala Gln Gly Arg His Met Val Met Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8706

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8706

Ala Gln Gly Glu Arg Phe Gly Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8707

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8707

Ala Gln Tyr Ser Gly Ser Ser Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8708

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8708

Ala Gln Lys Glu Ser Val Ser Ala Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8709

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8709

Ala Gln Ile Thr Ser Asp Gly Lys Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8710

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8710

Ala Gln Gly His Asp Ala Arg Val Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8711

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8711

Ala Gln Thr Ser Ser Asn Gly Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8712

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8712

Ala Gln Asn His Gln Asn Arg Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8713

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8713

Ala Gln Arg Val Pro Glu Gln Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8714

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8714

Ala Gln Ser Ala Gln Leu Arg Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8715

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8715

Ala Gln His Ala Lys Ser Glu Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8716

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8716

Ala Gln Leu Leu Thr Gln Val Glu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8717

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8717

Ala Gln Thr Lys Thr Ala Asp Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8718

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8718

Ala Gln Val Met Pro Ala Thr Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8719

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8719

Ala Gln Tyr Gln Ala Asn Asn Leu Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8720

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8720

Ala Gln Val Arg Val Pro Asp Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8721

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8721

Ala Gln His Gln Thr Gly Ser Gly Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 8722

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8722

Ala Gln Ser Ala Thr Leu Ser Gly Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8723

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8723

Ala Gln Asn Gly Ser Ala Thr Tyr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8724

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8724

Ala Gln Ser Thr Arg Pro Thr Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8725

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8725

Ala Gln Arg Pro Ala Asp Val Ser Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8726

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8726

Ala Gln Ser His Leu Ser Ser Thr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8727

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8727

Ala Gln Ala Asn Gln Ser Tyr Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8728

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8728

Ala Gln Ser Ser Gly Asp Arg Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8729

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8729

Ala Gln Gly Ser Val Pro Gly Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8730

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8730

Ala Gln Leu Val Thr Ile His Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8731

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8731

Ala Gln Pro Gln His Glu Thr Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8732

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8732

Ala Gln Pro Thr Lys Ser Ala Gln Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8733

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8733

Ala Gln Lys Lys Asp Pro Val Leu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8734

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8734

Ala Gln Phe Arg Val Gly Pro Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8735

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8735

Ala Gln Thr Ser Ser Gly His Ala Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8736

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8736

Ala Gln Arg Val Gly Glu Ala Arg Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8737

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8737

Ala Gln Arg Val Thr Ser Pro Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8738

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8738

Ala Gln Asp Arg Met Pro Ser Thr Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8739

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8739

Ala Gln Gln Gly Asp Thr Ser Lys His Ala Gln

1 5 10

<210> 8740

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8740

Ala Gln Ser Thr Ser Ser Asn Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8741

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8741

Ala Gln Lys Val Pro Thr Gly Tyr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8742

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8742

Ala Gln Phe Lys Gly Gln Arg Asn Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8743

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8743

Ala Gln Gly Asn His Leu Gly Asn Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8744

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8744

Ala Gln Ala Ser Lys Ser Phe Glu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8745

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8745

Ala Gln Thr Val Arg Asp Thr Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8746

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8746

Ala Gln Lys Val Ser Pro Asn Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8747

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8747

Ala Gln Gly Arg Thr Pro Glu Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8748

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8748

Ala Gln Gln Val Ser Gly Val Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8749

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8749

Ala Gln Tyr Thr Gly Ile Ser Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8750

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8750

Ala Gln Gln Thr Ala Glu Pro His Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8751

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8751

Ala Gln Leu Gly Pro Val Gly Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8752

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8752

Ala Gln Ala Arg Asp Asp Ser Thr Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8753

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8753

Ala Gln Asn Phe Lys His Ser Glu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8754

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8754

Ala Gln Ile Thr Thr Pro Leu Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8755

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8755

Ala Gln Pro Met Ser Ser Arg Glu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8756

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8756

Ala Gln Val Glu Asn Gly Lys Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8757

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8757

Ala Gln Thr Ser Asn Ser Gly Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8758

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8758

Ala Gln Gly Asn Ser Leu Ala Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8759

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8759

Ala Gln Ala Ser Asn Glu Ala His Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8760

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8760

Ala Gln Gly Leu Ala Gly Ser Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8761

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8761

Ala Gln Val Pro Ala Pro Gly Arg Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8762

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8762

Ala Gln Ala Ser Asp Arg Leu Ile Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8763

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8763

Ala Gln Ile Ser Thr Trp Gln Thr Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8764

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8764

Ala Gln Ile Thr Ser Gly Ala Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8765

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8765

Ala Gln Leu Ala Lys Ala Ser Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8766

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8766

Ala Gln Pro Gln Gly Thr Phe Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8767

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8767

Ala Gln Ile Val Arg Pro Pro Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8768

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8768

Ala Gln Thr Ser His Leu Thr Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8769

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8769

Ala Gln Leu His Pro Glu Thr Met Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8770

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8770

Ala Gln Val Leu His Asp Thr Arg Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8771

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8771

Ala Gln Val Ser Asn Pro Pro Arg Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8772

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8772

Ala Gln Glu Pro Leu Met Thr Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8773

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8773

Ala Gln Asp Arg Val Ser Ser Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 8774

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8774

Ala Gln Thr Lys Thr Gly His Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8775

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8775

Ala Gln Ser Ser Tyr Ser Pro Val Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8776

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8776

Ala Gln Lys Pro Asn Leu Gln Asn Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8777

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8777

Ala Gln Leu Lys Ser Pro Pro Gly Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8778

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8778

Ala Gln Gly Met Gln Leu Gly Met Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8779

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8779

Ala Gln His Gln Ala Asn Leu Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8780

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8780

Ala Gln Thr Gly His Pro Thr Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8781

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8781

Ala Gln Phe Ile Gly Ser His Leu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8782

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8782

Ala Gln Arg Asn Glu Ser Asn Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8783

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8783

Ala Gln Lys Ile Glu Thr Asn Gly Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8784

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8784

Ala Gln Tyr Leu Gln Asn Gly Val Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8785

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8785

Ala Gln Arg Pro Gly Met Leu Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8786

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8786

Ala Gln Leu Thr Gln Ile Gly Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8787

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8787

Ala Gln Asn Glu Asp Val Gln Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8788

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8788

Ala Gln His Leu Ala Asp Gln Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8789

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8789

Ala Gln Leu Gly Asn Asp Thr Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8790

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8790

Ala Gln Asn Asn His His Val Pro Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8791

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8791

Ala Gln Asp Lys Ala Gly Thr Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8792

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8792

Ala Gln Arg Thr Lys Asn Glu Ser Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8793

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8793

Ala Gln Phe Asn Val Val Arg Gly Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8794

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8794

Ala Gln Ile Val Arg Gly Met Asn Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8795

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8795

Ala Gln Gln His Thr Pro Thr Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8796

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8796

Ala Gln Ser Leu Gly Lys Glu Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8797

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8797

Ala Gln Ser Ser Gly His Gly Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8798

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8798

Ala Gln Arg Ile Asn Ser Asp Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8799

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8799

Ala Gln Asn Pro His Asn His Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8800

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8800

Ala Gln Ser His Lys Pro Ser Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8801

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8801

Ala Gln Ser Ser Met Ser Thr Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8802

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8802

Ala Gln Gly Ala Ala Ala Ser Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8803

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8803

Ala Gln Met Asn Gln Arg Glu Gln Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8804

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8804

Ala Gln Ser Tyr Pro Ser Asn Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8805

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8805

Ala Gln Leu Arg Asp Phe Val Thr Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8806

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8806

Ala Gln Asn Asn Thr Val Met Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8807

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8807

Ala Gln Leu Ser Pro Arg Lys Tyr Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8808

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8808

Ala Gln His Ile Arg Pro Pro Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8809

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8809

Ala Gln Pro Tyr Val Ser Thr Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8810

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8810

Ala Gln Val Asn His Gly Ser Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8811

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8811

Ala Gln Ser Gly Tyr Leu Asn Gly Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8812

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8812

Ala Gln Ser Arg Glu Arg Thr Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8813

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8813

Ala Gln Thr His Ser Val Thr Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8814

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8814

Ala Gln Leu Val Ala Asn Lys Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8815

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8815

Ala Gln Asn Phe Thr Asp Arg Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8816

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8816

Ala Gln Tyr Arg Thr Ser Thr Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8817

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8817

Ala Gln His Val Met Asn Lys Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8818

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8818

Ala Gln Ala Thr Asn Asn Pro Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8819

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8819

Ala Gln Thr Ile Met Lys Ala Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8820

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8820

Ala Gln Gly Met Ser Thr Met Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8821

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8821

Ala Gln Gly Thr Pro Ile Tyr Lys Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8822

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8822

Ala Gln Asn Gly Thr Leu Glu Lys Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8823

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8823

Ala Gln Ser Asn Glu Arg Thr Ile Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8824

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8824

Ala Gln Ile Pro Val Ser Ile Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8825

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8825

Ala Gln Asn Leu Gln Arg Glu Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8826

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8826

Ala Gln Gly Glu Gly Gly Lys Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8827

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8827

Ala Gln Leu Gln Gly Asn Gly Arg Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8828

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8828

Ala Gln Leu Val Ser Ser Thr Ser Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8829

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8829

Ala Gln Ser Leu Ala Gly Asn Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8830

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8830

Ala Gln Leu Thr Val Gly Asn Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8831

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8831

Ala Gln Ser Ile Leu Thr Arg Asp Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8832

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8832

Ala Gln Val Leu Val Asp Ser Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8833

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8833

Ala Gln Gly Val Ala Ser Thr Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8834

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8834

Ala Gln His Gly Ala Asn Leu Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8835

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8835

Ala Gln Ser Phe Asn Gln Pro Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8836

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8836

Ala Gln Leu Asn Gln Asn Gln Arg Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8837

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8837

Ala Gln Arg Ile Asp Ser Gln Asp Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8838

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8838

Ala Gln Thr Val Pro Gly Arg Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8839

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8839

Ala Gln Arg Glu Pro Asn Asn Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8840

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8840

Ala Gln Glu Arg Met Thr Met His Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8841

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8841

Ala Gln Ile Ala Ile Gln Asn Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8842

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8842

Ala Gln Leu Gly Ala Gln Ser Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8843

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8843

Ala Gln Ala Gly Asp Lys Thr Tyr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8844

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8844

Ala Gln Met Asn Arg Thr Ala Tyr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8845

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8845

Ala Gln Ala Leu Pro Gly Gly Leu Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8846

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8846

Ala Gln Leu Lys Asn His Asp Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8847

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8847

Ala Gln Pro Leu Asn Tyr Ala Leu Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8848

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8848

Ala Gln Ser Lys Gln Met His Asn Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8849

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8849

Ala Gln Thr Ala His Thr Thr Pro Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 8850

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8850

Ala Gln Leu Lys Thr Gly Asp Ser Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8851

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8851

Ala Gln Tyr Ser Thr Thr Ala Glu Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8852

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8852

Ala Gln Pro Leu Asp Arg Thr Gly Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8853

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8853

Ala Gln Gly Pro Gly Glu Val Lys Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8854

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8854

Ala Gln Leu Arg Asn Leu Asp Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8855

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8855

Ala Gln Leu Gly Ser Thr Leu Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8856

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8856

Ala Gln Leu Arg Pro Val Ser Glu His Ala Gln

1 5 10

<210> 8857

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8857

Ala Gln Ser Arg Ser Leu Thr Glu Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8858

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8858

Ala Gln Asn Gly Leu Ser Thr Thr Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8859

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8859

Ala Gln His Asp Lys Thr Tyr Ala Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8860

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8860

Ala Gln Val Pro Ser Asp Lys Met Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8861

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8861

Ala Gln Gly Ala His Asn Leu Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8862

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8862

Ala Gln Ser Thr Ser Thr Met Val Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8863

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8863

Ala Gln Asn Met Ala His Glu Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8864

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8864

Ala Gln Tyr Leu Gly Val Gly Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8865

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8865

Ala Gln Ala Ser Glu Tyr Asn Gln His Ala Gln

1 5 10

<210> 8866

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8866

Ala Gln Arg Ala Glu Gly Asp Lys Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8867

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8867

Ala Gln Ser Ser Gly Ser Ser Phe His Ala Gln

1 5 10

<210> 8868

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8868

Ala Gln Trp Gly Lys Glu Tyr Thr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8869

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8869

Ala Gln Pro Ala Ser Gly Ala Met Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8870

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8870

Ala Gln Arg Gly Ala Val Val Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8871

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8871

Ala Gln Val Met Met Gln Asn His Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8872

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8872

Ala Gln Gln Asp Arg Leu Gln Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8873

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8873

Ala Gln Gly His Ala Ala Val Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8874

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8874

Ala Gln Asp Lys Thr Asp Ser Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8875

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8875

Ala Gln Val Pro Pro Thr Ser Phe Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8876

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8876

Ala Gln Val Gly Pro Asn Ala Gln His Ala Gln

1 5 10

<210> 8877

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8877

Ala Gln His His Gly Arg Ala Asp Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8878

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8878

Ala Gln His Val Asn Met Gly Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8879

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8879

Ala Gln His Ala Thr Lys Glu Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8880

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8880

Ala Gln Leu Ala Thr Gly Val Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8881

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8881

Ala Gln Ser Leu Gly Ser Tyr Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8882

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8882

Ala Gln Gly Ser Lys Ala Tyr Val Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8883

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8883

Ala Gln Gln Asp Arg Met Ser Val Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8884

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8884

Ala Gln Trp Ser Asp Ser Leu Arg Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8885

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8885

Ala Gln Thr Lys Val Pro Met Thr Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8886

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8886

Ala Gln Ser Pro Leu Ser Asp Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8887

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8887

Ala Gln Leu Tyr Gly Ser Ser Val Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8888

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8888

Ala Gln Pro Thr Gln Thr Val Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8889

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8889

Ala Gln Leu Asn Lys Leu Leu Gly Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8890

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8890

Ala Gln His Ser Asn Gln Glu Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8891

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8891

Ala Gln Asn Gly Ala Ser Ile His Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8892

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8892

Ala Gln Leu Ser Gln Gln Arg Leu Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8893

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8893

Ala Gln Leu Pro His Gly Thr Met Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8894

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8894

Ala Gln Ser Ser Pro Asp Ala Lys Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8895

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8895

Ala Gln Phe His Thr Pro Ala Gly Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8896

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8896

Ala Gln Arg Thr Thr Ala Asn Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8897

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8897

Ala Gln Leu Asp Lys Thr Ile Pro Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8898

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8898

Ala Gln Trp Gln Gly Asn Arg Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8899

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8899

Ala Gln Gly Tyr Gly Thr Ile Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8900

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8900

Ala Gln Met Arg Glu Gln Asn Lys Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8901

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8901

Ala Gln Asn Leu Ala Gly Leu Thr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8902

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8902

Ala Gln Trp Phe Lys Ala Gly Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8903

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8903

Ala Gln Ile Asn Val Ala Pro Tyr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8904

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8904

Ala Gln Gly Val His Ser Asn Gly Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8905

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8905

Ala Gln Met Ser Ala Ser Thr Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8906

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8906

Ala Gln Gly Ser His Asn Ala Gln Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8907

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8907

Ala Gln Ile Ser Ala Val Pro Lys Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8908

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8908

Ala Gln Ala Gly Gly Gly Met Gln Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8909

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8909

Ala Gln Leu Leu Asn Thr Thr Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8910

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8910

Ala Gln Thr Asn Thr Val Ser Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8911

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8911

Ala Gln Gln Leu Ser Pro Ile Ala Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8912

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8912

Ala Gln Ala Pro Arg Gly Val Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8913

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8913

Ala Gln Leu Thr Arg Thr Ser Val Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8914

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8914

Ala Gln Leu Gly Gln Lys Ala Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8915

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8915

Ala Gln Lys Asn Ala Pro Pro Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8916

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8916

Ala Gln Val Arg Asn Ala Val His Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8917

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8917

Ala Gln Ile Arg His Met Asp Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8918

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8918

Ala Gln Gly Ala Pro Leu Val Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8919

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8919

Ala Gln Ser Asp His Asn Ala Arg Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8920

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8920

Ala Gln Ile Ser Asp Thr Leu His Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8921

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8921

Ala Gln Asn Asn Arg Gly Ser Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8922

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8922

Ala Gln Gln Arg Glu Arg Asp Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8923

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8923

Ala Gln Ser Lys Gln Asp Val Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8924

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8924

Ala Gln Asn Ser Gly Arg Leu Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8925

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8925

Ala Gln Gly Pro Ser Val Glu Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8926

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8926

Ala Gln Leu Leu Ser Ser Ser Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8927

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8927

Ala Gln Lys Val Leu Val Ser Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8928

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8928

Ala Gln Asp Val Arg Asn Thr Ile Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8929

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8929

Ala Gln His Lys Leu Val Thr Lys Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8930

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8930

Ala Gln Pro Tyr Val Ser Gly Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8931

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8931

Ala Gln Thr Thr Lys Ala Ser Phe Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8932

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8932

Ala Gln Thr Pro His Gly Pro Asp Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8933

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8933

Ala Gln Asp Tyr Arg Gln Thr Asp His Ala Gln

1 5 10

<210> 8934

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8934

Ala Gln His Ser Pro Lys Pro Asp His Ala Gln

1 5 10

<210> 8935

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8935

Ala Gln Ala Tyr Gly Gln Val Pro Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8936

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8936

Ala Gln Ser Asn Gln Gly Leu Ala Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8937

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8937

Ala Gln Ile Asn Ser Pro Ile Gly Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8938

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8938

Ala Gln Gln Asn Gln Ile Met Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8939

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8939

Ala Gln Val Tyr Gln Gly Asn Gln Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 8940

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8940

Ala Gln Gly Ser Asn Ser Gln His Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8941

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8941

Ala Gln Lys Gln Glu Pro Ser Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8942

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8942

Ala Gln His Arg Ser Ser Pro Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8943

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8943

Ala Gln Asn Glu Gly Asn Ser Met Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8944

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8944

Ala Gln Arg Pro Asp Lys Gly Pro Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8945

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8945

Ala Gln Ala Ile Val Ser His Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8946

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8946

Ala Gln Thr Gln Gly Glu Arg Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8947

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8947

Ala Gln Tyr Val Asn Ser Ala Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8948

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8948

Ala Gln Pro Ser Gly Thr Ser Ile Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8949

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8949

Ala Gln Ser Val Gly Ala Asn Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8950

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8950

Ala Gln Ser Ala His Phe Asn His Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8951

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8951

Ala Gln Lys Val Asn Ser Ala His Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8952

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8952

Ala Gln Gly Phe Gly Asn Met Gly Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8953

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8953

Ala Gln Asn Leu Lys Pro Glu Thr Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8954

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8954

Ala Gln Pro Asn Ser Asn Thr Ala Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 8955

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8955

Ala Gln His Asp Thr Leu Arg Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8956

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8956

Ala Gln Arg Phe Pro Gln Ala Pro Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8957

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8957

Ala Gln Ser Ser Gly Asn Lys Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8958

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8958

Ala Gln Met Ser Lys Met Ala Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8959

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8959

Ala Gln Glu His Arg Glu Thr Ser Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8960

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8960

Ala Gln Ser Thr Glu Tyr Pro Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8961

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8961

Ala Gln Asp Lys Ser Met Asn Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8962

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8962

Ala Gln Glu Tyr His Asn Asn Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 8963

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8963

Ala Gln Ile Phe Thr Asn Thr Gly His Ala Gln

1 5 10

<210> 8964

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8964

Ala Gln Lys Ser Asn Ser Pro Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8965

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8965

Ala Gln Tyr Ser Ser Gly Tyr Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8966

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8966

Ala Gln Gly Ser Lys Thr Gln Gly Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 8967

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8967

Ala Gln Ile Val Ser Gly Ser Ser Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 8968

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8968

Ala Gln Ser Leu Ile Asn Ser Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 8969

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8969

Ala Gln Asn Met Lys Ile Gln His Val Ala Gln

1 5 10

<210> 8970

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8970

Ala Gln Asp Ser Thr Lys Leu Gly His Ala Gln

1 5 10

<210> 8971

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8971

Ala Gln Gln Ser His Gly Thr Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8972

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8972

Ala Gln Lys Asp Asn Asn Arg Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8973

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8973

Ala Gln Phe Gln Pro Ser Tyr Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8974

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8974

Ala Gln Pro Thr Val Gln Met Lys Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8975

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8975

Ala Gln Ser Pro Thr Ser Ser Thr Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 8976

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8976

Ala Gln Gly Arg Asp Ala Asn Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8977

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8977

Ala Gln Thr Leu Met Ser Thr Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8978

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8978

Ala Gln Leu His Gly Ala Thr Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 8979

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8979

Ala Gln Arg Thr Asn Glu Val Met Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 8980

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8980

Ala Gln Asp Asn Leu Arg Val Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8981

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8981

Ala Gln Arg Gln Ala Gly Asp Gln Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8982

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8982

Ala Gln Val Gly Gln His Leu Thr His Ala Gln

1 5 10

<210> 8983

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8983

Ala Gln Leu Ser Ala Ala Ser Gly Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8984

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8984

Ala Gln Ser Ser His Asn Gly Phe Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8985

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8985

Ala Gln Asn Ala Thr Arg Gln Tyr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8986

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8986

Ala Gln Val Ser Arg Gln Ser Leu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8987

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8987

Ala Gln Asp Val Val Lys Pro His Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 8988

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8988

Ala Gln Gly Ile Gly Gly Ile Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8989

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8989

Ala Gln Thr Asn Asn Ser Leu Arg Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 8990

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8990

Ala Gln Thr Arg Thr Ala Ser Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8991

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8991

Ala Gln Thr Thr Thr Ala Pro Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 8992

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8992

Ala Gln Asn Ala Ser Met Ser Ser Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 8993

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8993

Ala Gln Thr Gln Pro His Arg Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 8994

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8994

Ala Gln Arg Leu Asp His His Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8995

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8995

Ala Gln Glu Asn Thr Thr Arg Ile Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8996

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8996

Ala Gln Ser Leu Arg Gly Asn Glu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 8997

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8997

Ala Gln Pro Asn Val Pro Ser His Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 8998

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8998

Ala Gln Gly Met Pro Leu Met Lys Met Ala Gln

1 5 10

<210> 8999

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 8999

Ala Gln Gln Lys Thr Glu Arg Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9000

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9000

Ala Gln Asn His Thr Asn His Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9001

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9001

Ala Gln Gly Leu Gly Asn Arg Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9002

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9002

Ala Gln Asp Leu Asp Lys Arg Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9003

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9003

Ala Gln Leu Thr Asn Ala Gln Pro Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9004

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9004

Ala Gln Thr Lys Pro Asp Tyr Leu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9005

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9005

Ala Gln Lys Leu Gln Leu His Glu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9006

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9006

Ala Gln Thr Ser Val Thr Ile Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9007

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9007

Ala Gln Asn Ser Ser Asn Arg Ala Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9008

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9008

Ala Gln Leu Glu His Gly Thr Arg Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9009

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9009

Ala Gln Thr Leu Gln Met Arg Glu His Ala Gln

1 5 10

<210> 9010

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9010

Ala Gln Gly Ser Pro Thr Ala Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9011

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9011

Ala Gln Asn Lys Gly Gln Thr Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9012

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9012

Ala Gln Ser Val Gly His Arg Asp Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9013

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9013

Ala Gln Arg Asp Lys Ser Ser Met His Ala Gln

1 5 10

<210> 9014

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9014

Ala Gln Val Ser Val Ile Asn Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9015

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9015

Ala Gln Leu Pro Asn Ser Ala Phe Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9016

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9016

Ala Gln Arg Thr Val Ser Thr Asp Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9017

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9017

Ala Gln Leu Met Asp Arg Met Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9018

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9018

Ala Gln Pro Ser Gly Phe Asn Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9019

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9019

Ala Gln Lys Ser Ala Gln Pro Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9020

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9020

Ala Gln Thr Gly Leu Ser Val Gln Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9021

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9021

Ala Gln His Gly Phe Pro Ala Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9022

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9022

Ala Gln Ser Tyr Glu Ala Val Gly Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9023

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9023

Ala Gln Thr Ala Lys Gly Val Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9024

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9024

Ala Gln Gly Ala Ser Thr His Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9025

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9025

Ala Gln Ile Ile Lys Glu Ile Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9026

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9026

Ala Gln Asn His Val Ile Ser Asn Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9027

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9027

Ala Gln Tyr Thr Asn Met Ala Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9028

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9028

Ala Gln Phe Asn Arg Ile Gly Ala Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9029

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9029

Ala Gln Trp Ser Thr Met Met Lys Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9030

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9030

Ala Gln Thr Ala Pro Ala Asn His Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9031

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9031

Ala Gln Met His Gly Gly Ser Glu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9032

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9032

Ala Gln Met Ser Arg Met Gly Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9033

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9033

Ala Gln Thr Arg Ile Ser Glu Val Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9034

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9034

Ala Gln Ser Gly Pro Gly Leu Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9035

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9035

Ala Gln Asp Lys Arg His His Ala Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9036

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9036

Ala Gln Leu Thr Gln Asn Asp Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9037

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9037

Ala Gln Ser Val Thr Thr Ser His Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9038

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9038

Ala Gln Met Leu Thr Gly Gly Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9039

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9039

Ala Gln Asp Asn Val Ala Asn Ala Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9040

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9040

Ala Gln Met Thr Thr Asn Ser Ile Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9041

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9041

Ala Gln Met Arg Thr Gln Ser Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9042

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9042

Ala Gln Tyr Gly Ser Phe Thr Gly Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9043

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9043

Ala Gln Gly Pro Met Leu Leu Lys Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9044

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9044

Ala Gln Met Thr Gln Lys Ala Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9045

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9045

Ala Gln Ser Ala Asn Ala Thr Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9046

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9046

Ala Gln Phe Asn Gly Ser Leu Ala Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9047

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9047

Ala Gln Ile Val Asn Ala Lys Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9048

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9048

Ala Gln Met Phe Ser Gly Leu Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9049

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9049

Ala Gln Val Asp Tyr Arg Val Asn Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9050

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9050

Ala Gln Leu Ala Ser Ala Gly Asn Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9051

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9051

Ala Gln Arg Asp Leu His Ser Lys Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9052

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9052

Ala Gln Ser His Val Ser Arg Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9053

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9053

Ala Gln Thr Pro Val Gln Ser Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9054

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9054

Ala Gln Tyr Leu Asn Gly Ser Glu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9055

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9055

Ala Gln Pro Ala Leu Lys Thr His Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9056

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9056

Ala Gln Asn Lys Ser Leu Thr Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9057

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9057

Ala Gln Tyr Asn Ala Thr Lys Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9058

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9058

Ala Gln Met Arg Asp Lys Ser His Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9059

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9059

Ala Gln His Arg Thr Glu Gly Gln Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9060

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9060

Ala Gln Leu His Lys Pro Asp Glu Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 9061

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9061

Ala Gln Ile Ala Ala Arg Pro Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9062

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9062

Ala Gln Thr Pro Thr His Tyr Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 9063

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9063

Ala Gln Ser Thr Phe Ser Ala Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9064

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9064

Ala Gln Gln Ser Val Gln Val Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9065

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9065

Ala Gln Leu Asp Ser Ser Arg Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9066

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9066

Ala Gln Arg Gln Pro Gln Ser Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9067

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9067

Ala Gln Arg Val Asp Asp Gly Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9068

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9068

Ala Gln Lys Ile Thr Asn Thr Tyr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9069

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9069

Ala Gln Pro Gly Lys Ala Thr Pro Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9070

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9070

Ala Gln Phe Ser Thr His Thr Pro Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9071

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9071

Ala Gln Leu Ala Pro Asn Met Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9072

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9072

Ala Gln Asn Leu Pro Arg Thr Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9073

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9073

Ala Gln Glu Thr Ser Asn Val Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9074

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9074

Ala Gln Gly Ser Thr Asp His Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9075

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9075

Ala Gln Val Asn Thr Ala Met Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9076

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9076

Ala Gln Met Val Ala Arg Asp Gln Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9077

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9077

Ala Gln Lys Asn Asn Pro Val Leu His Ala Gln

1 5 10

<210> 9078

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9078

Ala Gln Asp Ser Thr Thr Val Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9079

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9079

Ala Gln Lys Leu Asn Val Met Asn Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9080

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9080

Ala Gln Ser Leu Arg Asp Lys Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9081

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9081

Ala Gln Gly Val Gly Asn Ser Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9082

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9082

Ala Gln Phe Ser Lys Thr Asn Phe Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9083

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9083

Ala Gln Ala Asn Arg Pro Ser Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9084

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9084

Ala Gln Asp Ser Gln Thr Asn Arg Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9085

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9085

Ala Gln Ile Ser Thr Ser Ser Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9086

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9086

Ala Gln Ile Leu Lys Ile Thr Glu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9087

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9087

Ala Gln Phe Arg Pro Ala Ser Glu Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9088

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9088

Ala Gln Lys Lys Asp Ser Glu Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9089

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9089

Ala Gln Asn Ala Arg Pro Leu Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9090

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9090

Ala Gln Lys Ala Ala Arg Met Glu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9091

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9091

Ala Gln His Ala Asn Val Ser Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9092

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9092

Ala Gln Thr Ser Thr Thr Gln Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9093

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9093

Ala Gln Ser Ala Leu Ser Leu Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9094

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9094

Ala Gln Ala Asn Val Gln Ile Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9095

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9095

Ala Gln Thr Pro Ser Ser Asn Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9096

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9096

Ala Gln Thr Met Thr Gly Pro Gly His Ala Gln

1 5 10

<210> 9097

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9097

Ala Gln Ile Thr Ala Gln Ile Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9098

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9098

Ala Gln Leu Pro Asn Pro Ser Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9099

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9099

Ala Gln Lys Met Gly Thr Met Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9100

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9100

Ala Gln Tyr Thr Asn Gly Arg Ile Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9101

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9101

Ala Gln Asp Gly Ser Asn Val Val Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9102

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9102

Ala Gln Leu Pro Leu Ser Ile Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9103

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9103

Ala Gln Glu Ser Arg Leu Ser Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9104

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9104

Ala Gln Met Ser Pro Ser Arg Gly Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9105

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9105

Ala Gln Ser Val His Ala Ala Lys Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9106

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9106

Ala Gln Ala Phe Ser Ser Gly Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9107

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9107

Ala Gln Thr Gly Trp Ser Pro Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9108

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9108

Ala Gln Ala Ser His Ser Ala Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9109

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9109

Ala Gln Val Thr Pro Arg Ser Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9110

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9110

Ala Gln Thr Glu Arg Asp Thr Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9111

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9111

Ala Gln Tyr Thr Leu Thr Gly Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9112

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9112

Ala Gln Asp Leu Arg Val Ser Arg Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9113

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9113

Ala Gln Leu Ile Ala Ser His Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9114

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9114

Ala Gln Gln Arg Ser Glu Asn Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 9115

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9115

Ala Gln Ser Ala Ser Asn Gln Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 9116

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9116

Ala Gln Leu Glu Lys Val Leu Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9117

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9117

Ala Gln Asn Ser Gly Pro Leu Val Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9118

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9118

Ala Gln Gly Thr Ile His Ser Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9119

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9119

Ala Gln Asn Lys Asn Gly Glu Val Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9120

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9120

Ala Gln Pro Met Asn Glu Arg Glu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9121

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9121

Ala Gln Gly Ser Asn Asn Leu His Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9122

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9122

Ala Gln Met Ser Leu His Ala Lys Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9123

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9123

Ala Gln Gln Glu Lys Ala Leu Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9124

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9124

Ala Gln Asp Arg Ser Thr His Ala Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9125

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9125

Ala Gln Ile Val Arg Gly Asp Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9126

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9126

Ala Gln Ser Ser Gly Gly Met Asn Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9127

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9127

Ala Gln Lys Leu His Ala Val Glu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9128

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9128

Ala Gln Met Phe Ala Glu Gly Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9129

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9129

Ala Gln Thr Leu Gly Arg Val Pro Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9130

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9130

Ala Gln Leu Leu Gly Asn Lys Asp Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9131

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9131

Ala Gln Arg Val Asn Thr Ser Thr Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9132

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9132

Ala Gln Pro Gln Gly Val Ser Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9133

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9133

Ala Gln Gly Ala Val Leu Ser Lys Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9134

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9134

Ala Gln Leu Gly His Ala Ala Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9135

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9135

Ala Gln Ser Gly Phe Ser Ser Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9136

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9136

Ala Gln Leu Val Asn Gln Pro Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9137

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9137

Ala Gln Gly Arg Ala Glu Val Gly Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9138

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9138

Ala Gln Val Leu Ala Thr Lys Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9139

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9139

Ala Gln Gln Ala His Ala Phe Ala Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9140

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9140

Ala Gln Asn Leu Asp Thr Val Lys Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9141

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9141

Ala Gln Arg Pro Gln Thr Leu Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9142

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9142

Ala Gln Asn Pro Arg Asn Ser Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9143

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9143

Ala Gln His Val Gln Met Asp Ala Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9144

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9144

Ala Gln Thr Tyr Arg Thr Glu Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9145

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9145

Ala Gln Pro Gly Leu Val Asn Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9146

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9146

Ala Gln Ser Leu Ser Gln Gly Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9147

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9147

Ala Gln Leu Gly Ala Ser Gly Tyr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9148

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9148

Ala Gln Ser Ala Val Thr Thr Met Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9149

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9149

Ala Gln Lys Val Asn Ala Glu Leu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9150

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9150

Ala Gln Pro Phe Thr Pro Lys Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9151

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9151

Ala Gln Met Arg Ser Thr Asn Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9152

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9152

Ala Gln Val Met Tyr Ala Arg Gly Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9153

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9153

Ala Gln Arg Val Gly Ser Thr Met Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9154

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9154

Ala Gln Leu Thr Val Ala Val Glu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9155

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9155

Ala Gln Trp Thr Asn Ser Gly Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9156

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9156

Ala Gln His Ala Met Arg Gly Thr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9157

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9157

Ala Gln His Gln Asp Val Arg Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9158

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9158

Ala Gln Ser Phe Gln Arg Glu Ile Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9159

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9159

Ala Gln Leu Gln Arg Ala Ala Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9160

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9160

Ala Gln Ser Asp Ala Thr Ile Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9161

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9161

Ala Gln Gln Met Ser Thr Gly Arg Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9162

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9162

Ala Gln Arg Ser Thr Gln Ala Ile Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9163

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9163

Ala Gln Gln Ile Arg Asp Ala Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9164

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9164

Ala Gln Leu His Thr Ser Asn Ala Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 9165

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9165

Ala Gln Ser Ser Gly Leu Gly Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9166

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9166

Ala Gln Asp His Lys Pro Val Arg Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9167

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9167

Ala Gln Met Lys Leu Val Ser Val Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9168

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9168

Ala Gln Gly Glu Gln Ser Leu Lys Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9169

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9169

Ala Gln Met Thr Ser Gly Thr Asn Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9170

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9170

Ala Gln His Ala Ala Lys Gly Val Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9171

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9171

Ala Gln Ser Ser Arg Gln Asn Glu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9172

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9172

Ala Gln Ala Leu Ile Asn Arg Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9173

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9173

Ala Gln Leu Arg Ser Ser Met Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9174

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9174

Ala Gln Asn Asn Glu Tyr Ser Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9175

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9175

Ala Gln Thr Gly Arg Leu Asn Gly Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9176

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9176

Ala Gln Thr Asn Ser His Ala Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9177

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9177

Ala Gln Ile Val Thr Asn His Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 9178

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9178

Ala Gln Ala Leu Thr Arg Asp Ile Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9179

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9179

Ala Gln Gly Ile Ala Asn Gln Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9180

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9180

Ala Gln Asn Thr Val Arg Ser Gln Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9181

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9181

Ala Gln Met Glu Asn Ser Asn Lys Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9182

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9182

Ala Gln Gly Thr Val Arg Val Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9183

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9183

Ala Gln Thr Thr Ser His Leu Ile Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9184

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9184

Ala Gln Gly Thr Gln Ala His Gln Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9185

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9185

Ala Gln Lys Met Ser Ala Ser Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9186

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9186

Ala Gln Ser Leu Lys Val Asn Pro Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9187

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9187

Ala Gln Ser Thr Gly Thr Ser Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9188

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9188

Ala Gln Val Leu Thr Asn Arg Glu Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9189

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9189

Ala Gln Leu Asp Val Ser Arg Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9190

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9190

Ala Gln Ser Phe Gly Thr Glu Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9191

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9191

Ala Gln Gln Leu Ala Lys Gly Asn Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 9192

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9192

Ala Gln Ala Lys Asn Asp Pro Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9193

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9193

Ala Gln Leu Thr Gln Val Gly Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9194

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9194

Ala Gln Lys Gln Asn Thr Thr Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9195

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9195

Ala Gln Leu Ser Thr Arg Ala Glu Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9196

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9196

Ala Gln Thr Val Pro Asn Ile Pro Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9197

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9197

Ala Gln Asn Ser Leu Ser Lys Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9198

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9198

Ala Gln Met Asn Glu His Gln Met Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9199

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9199

Ala Gln Asp Val Lys Gly His Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9200

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9200

Ala Gln Asp Val Ser Leu Gln Lys Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9201

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9201

Ala Gln Thr Arg Pro Ser Gly Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 9202

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9202

Ala Gln Val Lys Gly Pro Asp Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9203

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9203

Ala Gln Asn His Ser Ser Tyr Glu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9204

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9204

Ala Gln Thr Val Arg Thr Pro Leu Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9205

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9205

Ala Gln Ala Ser Ile Asp Ser Gln His Ala Gln

1 5 10

<210> 9206

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9206

Ala Gln Asp Gln Lys Asn Ser Gly His Ala Gln

1 5 10

<210> 9207

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9207

Ala Gln Leu Asp Thr Asn Asn Lys Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9208

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9208

Ala Gln Ala Ser Ala His Ala Gln Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9209

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9209

Ala Gln Asp Ser Gly Lys His Asn Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9210

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9210

Ala Gln Leu Asn Arg Asn Ser Gly Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9211

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9211

Ala Gln Pro Thr Met Leu Pro Asp Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9212

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9212

Ala Gln Ser Thr Gln Val Ser Asn Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 9213

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9213

Ala Gln Ser Asn Gln Thr Leu Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9214

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9214

Ala Gln Arg Asn Pro Gly Ser Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9215

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9215

Ala Gln Arg Met Ala Gln Gly Tyr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9216

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9216

Ala Gln Gln Val Met Arg Gln Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9217

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9217

Ala Gln Lys Asn Thr Thr Val Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9218

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9218

Ala Gln Thr Gly Lys Thr Ala Arg Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9219

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9219

Ala Gln Ile Leu Arg Thr Leu Thr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9220

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9220

Ala Gln Arg Leu Asp Asn Ala Gly Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9221

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9221

Ala Gln Ser Gly Thr Gly Arg Gln Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9222

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9222

Ala Gln Leu Gly Lys Asp Thr Phe Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9223

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9223

Ala Gln Arg Tyr Asp Gly Ser Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9224

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9224

Ala Gln Ala His Tyr Pro Ala Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9225

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9225

Ala Gln Lys Ser Asn Gly Ser Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9226

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9226

Ala Gln Arg Asp Leu Val Leu Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9227

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9227

Ala Gln Thr Ser Asn Pro Gly Asn Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9228

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9228

Ala Gln Leu Pro Arg Pro Ser Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9229

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9229

Ala Gln Thr Gly Gly Gly Ser Phe Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9230

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9230

Ala Gln Tyr Pro Asn Lys Glu Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9231

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9231

Ala Gln Thr Met Val His Gln Glu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9232

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9232

Ala Gln Val Asn Ser Asn Asn Ser Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9233

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9233

Ala Gln Asn Gly Val His Val Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9234

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9234

Ala Gln Ala Lys Tyr Leu Asn Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9235

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9235

Ala Gln Gly Met Thr Lys Asn Gly Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9236

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9236

Ala Gln Arg Ala Arg Asp Glu Gly Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9237

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9237

Ala Gln Val Pro Ser Pro Gly Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9238

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9238

Ala Gln Lys Thr Gln Leu Gly Gln Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9239

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9239

Ala Gln Ser Thr Ser Thr Ile Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9240

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9240

Ala Gln Arg Lys Glu Asn Ala Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 9241

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9241

Ala Gln Leu Thr Asn His Gly Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9242

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9242

Ala Gln Leu Asp Asn Val His Ser His Ala Gln

1 5 10

<210> 9243

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9243

Ala Gln Pro Thr Met Ala Val Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9244

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9244

Ala Gln Lys Pro Glu Arg Thr Glu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9245

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9245

Ala Gln Thr Gly Asp Arg Lys Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9246

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9246

Ala Gln Ala Lys His Thr Ser Phe Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9247

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9247

Ala Gln Gly Leu Val Ala Ser Leu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9248

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9248

Ala Gln Ser Val Pro Arg Ser Glu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9249

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9249

Ala Gln Ala Glu Arg Ile Gly Met Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9250

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9250

Ala Gln Ser Leu Val Arg Gln Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9251

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9251

Ala Gln His Val Lys Ala Asn Pro Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9252

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9252

Ala Gln Val Val Asp Thr Leu Lys Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9253

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9253

Ala Gln Gln Ile Pro Tyr Asn Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9254

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9254

Ala Gln Ala Asp His Ser Met His Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9255

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9255

Ala Gln Asn His Val Thr Ala Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9256

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9256

Ala Gln Thr Asn Phe Thr Lys Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9257

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9257

Ala Gln Tyr Gly His Ser Met Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9258

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9258

Ala Gln Met Arg Pro Asp Leu Lys Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9259

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9259

Ala Gln Gly Pro Gly Thr Ser Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9260

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9260

Ala Gln Ser Ser Thr Thr Pro Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9261

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9261

Ala Gln Ser Val Lys Ala Asn Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9262

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9262

Ala Gln Thr Pro Thr Val Phe Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9263

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9263

Ala Gln Met Leu Pro Ser Pro Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9264

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9264

Ala Gln Asn Phe Asp Tyr Ala Lys Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9265

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9265

Ala Gln Thr Leu Asn Thr Ser Pro Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9266

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9266

Ala Gln Thr Asn Ser Pro Lys Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9267

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9267

Ala Gln Val Thr Pro Gly Arg Tyr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9268

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9268

Ala Gln Thr Arg Val Ser Asn Leu Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9269

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9269

Ala Gln Ser His Gly Pro Asp Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9270

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9270

Ala Gln Asn Ile His Thr Ala Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9271

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9271

Ala Gln Leu Leu Pro Gln Thr Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9272

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9272

Ala Gln Arg Thr Asn Asp Thr Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9273

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9273

Ala Gln Glu Arg Asn Gly Ser His Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9274

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9274

Ala Gln Asn Thr Arg Glu Ala Phe Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9275

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9275

Ala Gln Val Gly Gln Tyr Ala Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9276

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9276

Ala Gln Val Ala Glu Thr Gly Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9277

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9277

Ala Gln Met Ser Ala Gly Ser Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9278

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9278

Ala Gln Leu Ser Pro Lys Asn Ala Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9279

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9279

Ala Gln Ser Gly Thr Ser Gln Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9280

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9280

Ala Gln Arg Leu Gln Asp Lys Pro Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9281

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9281

Ala Gln Asn Val Pro Arg Ser Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9282

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9282

Ala Gln Ala Leu Gly Ser Pro Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9283

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9283

Ala Gln Ala Lys Glu Pro Met Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9284

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9284

Ala Gln Ala Val Ser Gly Ala Ala His Ala Gln

1 5 10

<210> 9285

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9285

Ala Gln Tyr Asn Asn Lys Ser Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9286

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9286

Ala Gln Gln Val Ser Val Arg Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9287

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9287

Ala Gln Lys Gly Thr His Pro Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9288

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9288

Ala Gln Gln Tyr Pro Asn Ser Lys Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9289

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9289

Ala Gln His Asn Ala Ser Asn Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9290

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9290

Ala Gln Glu Leu Asn Pro Lys Phe Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9291

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9291

Ala Gln Ser Arg Glu Thr Pro Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9292

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9292

Ala Gln Asn Phe Lys Pro Gln Asn Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9293

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9293

Ala Gln Ala Met Thr Ser Gly Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9294

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9294

Ala Gln Lys Asp Pro Arg Ser Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9295

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9295

Ala Gln Asp Arg Gly Thr Arg Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9296

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9296

Ala Gln Ser Leu Ala Arg Asn Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9297

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9297

Ala Gln Ala Ile Arg Phe Asn Glu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9298

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9298

Ala Gln Gln His His Ile Ala Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9299

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9299

Ala Gln Gln Ile Leu Arg Glu Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9300

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9300

Ala Gln Thr Val Val Asn Lys Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9301

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9301

Ala Gln Arg Asp Asn Thr Thr Lys Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 9302

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9302

Ala Gln Ser Leu Leu Ser Thr Leu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9303

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9303

Ala Gln Gly Gln Val Pro Val Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9304

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9304

Ala Gln Ile Gln Asn Ser Leu Met Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9305

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9305

Ala Gln Gln His Asn Thr Gln Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9306

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9306

Ala Gln Val Gly Pro Thr Met Thr His Ala Gln

1 5 10

<210> 9307

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9307

Ala Gln Thr Asn Val Thr Met Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9308

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9308

Ala Gln Ser Ala His Phe Thr Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9309

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9309

Ala Gln Arg Tyr Ser Val Asn Asp Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9310

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9310

Ala Gln Val Tyr Lys Ser Ala Asp Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9311

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9311

Ala Gln Val His Thr Ala Leu Pro Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9312

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9312

Ala Gln Thr Ile Ser Ser Ala Gly Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9313

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9313

Ala Gln Arg Leu Pro Ser Thr Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9314

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9314

Ala Gln Ser Gln Glu Arg Ala Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9315

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9315

Ala Gln Met Asn Gln Leu Ala Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9316

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9316

Ala Gln Phe Gly Ala Thr Ser Gly Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9317

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9317

Ala Gln Thr Leu Leu Arg Ser Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9318

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9318

Ala Gln Leu Arg Ser Asn Val Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9319

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9319

Ala Gln Ile Ala Asn Ser Gln Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9320

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9320

Ala Gln Ser Asn Arg Ile Val Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9321

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9321

Ala Gln Ser Pro Asn Pro Ser Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9322

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9322

Ala Gln Lys Trp Asp Ser Ala Asn Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9323

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9323

Ala Gln Ala Ser Arg Gln Gly Glu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9324

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9324

Ala Gln Val Pro Gly Asn Ser Pro His Ala Gln

1 5 10

<210> 9325

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9325

Ala Gln Ser Ala Thr Thr Asn Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9326

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9326

Ala Gln His Ile Gly Ala Arg Gln Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9327

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9327

Ala Gln Leu Thr Asp Arg Ser Pro Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9328

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9328

Ala Gln Asn Pro Thr Gln Ala Val Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9329

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9329

Ala Gln Thr Lys Asn Glu Thr Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9330

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9330

Ala Gln Leu Thr Ala Thr Leu Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9331

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9331

Ala Gln Tyr Lys Ala Ser Tyr Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9332

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9332

Ala Gln Thr Leu Pro Asp Lys Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9333

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9333

Ala Gln Asn Asn His Ile Pro Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9334

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9334

Ala Gln Ser Asn Leu Thr Ser Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9335

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9335

Ala Gln Gln Gln Asn Asp Arg Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9336

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9336

Ala Gln Met Leu Ser Thr Asn Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9337

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9337

Ala Gln Ile Thr Ser Ala Thr Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9338

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9338

Ala Gln Val Asp Ala Met Gln Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9339

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9339

Ala Gln Arg Glu Ala Asn Tyr Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9340

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9340

Ala Gln Arg Ser Asn Asn Ala Asp Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9341

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9341

Ala Gln Gly Leu Asp Lys Met Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9342

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9342

Ala Gln Phe Thr Thr Ser His Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9343

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9343

Ala Gln Asp Lys Ser Val Lys Phe Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9344

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9344

Ala Gln His Ala Lys Lys Glu Leu Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9345

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9345

Ala Gln Val Glu Ser Lys Gly Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9346

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9346

Ala Gln Lys Thr Ala Pro Ser Met Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9347

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9347

Ala Gln Gly Leu Arg Thr Asp Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9348

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9348

Ala Gln Arg Ile Ala Gly Asn Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9349

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9349

Ala Gln Lys Asp Pro His Gln Val Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9350

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9350

Ala Gln Glu Gln Thr Pro His Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9351

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9351

Ala Gln Gly Leu Asp Lys Gly Asn Trp Ala Gln

1 5 10

<210> 9352

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9352

Ala Gln Pro Ser Asn Gly Asn Tyr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9353

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9353

Ala Gln Gly Arg Pro Gly Ile Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9354

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9354

Ala Gln Arg Thr Ser Pro Gly Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9355

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9355

Ala Gln Val Asn Ala Ser Leu Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9356

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9356

Ala Gln Lys Thr Ser Thr Asn Leu Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9357

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9357

Ala Gln Met Asp Met Lys Gln Asn Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9358

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9358

Ala Gln Asp Leu Asn Gly Ile Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9359

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9359

Ala Gln Arg Thr Pro Pro Ser Phe Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9360

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9360

Ala Gln Asp Phe His Asp Arg Lys Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9361

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9361

Ala Gln Leu His Thr Gln Thr Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9362

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9362

Ala Gln Leu Gly Ala Ser Asn Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9363

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9363

Ala Gln Ile Ala Ser Val Pro Arg Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9364

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9364

Ala Gln Lys Ala Lys Asp Val Gly Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9365

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9365

Ala Gln Ser Ala Phe Ala Ala Lys Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9366

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9366

Ala Gln Val Tyr Gln Gly Gln His Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9367

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9367

Ala Gln Tyr Leu Pro Ala Ala Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9368

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9368

Ala Gln Ser Pro Ser Thr Val Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9369

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9369

Ala Gln Gly Thr Asn Lys Pro Pro Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9370

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9370

Ala Gln Glu Ser Thr Gly Ala Ile Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9371

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9371

Ala Gln Leu Met Asn Thr Thr Ile Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9372

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9372

Ala Gln Met Ala Gly Val Ala Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9373

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9373

Ala Gln Arg Pro Glu Leu Lys Arg Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9374

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9374

Ala Gln Lys Ala Gln Asp Thr Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9375

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9375

Ala Gln Ser Thr Asn His Ser Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9376

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9376

Ala Gln Phe Pro Arg Thr Thr Thr Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9377

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9377

Ala Gln Ser Arg Ala His Asn Leu Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9378

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9378

Ala Gln Arg Thr Ile Gln Glu Gly Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9379

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9379

Ala Gln Gly Gly Lys Ser Phe Ala Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9380

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9380

Ala Gln Gly Arg Pro Ser Ser Thr Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9381

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9381

Ala Gln Asn Pro Leu Asn Thr Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9382

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9382

Ala Gln Glu Asn Leu Ser Asn Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9383

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9383

Ala Gln Glu Asn Thr Ile Arg Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9384

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9384

Ala Gln Pro Pro Arg Ser Met Pro Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9385

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9385

Ala Gln Leu Leu Ser Ser Asn Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9386

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9386

Ala Gln Arg Val Gln Ser Leu Asn Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9387

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9387

Ala Gln Pro Arg Arg Ala Gln Asp Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9388

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9388

Ala Gln Gln Gly Asn Val Asn Val Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9389

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9389

Ala Gln Ser Gly Glu Thr Leu Arg Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9390

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9390

Ala Gln His Val Ser His Asn Thr Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9391

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9391

Ala Gln Phe Gly Gly Gly Ser Leu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9392

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9392

Ala Gln Pro Ser Leu Arg Ser Glu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9393

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9393

Ala Gln Val Arg Ser Glu Asn Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9394

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9394

Ala Gln Thr Leu Lys Val Thr Gly Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9395

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9395

Ala Gln Val Pro Lys Val Tyr Leu Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9396

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9396

Ala Gln Thr Ser Met Arg Asn Thr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9397

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9397

Ala Gln Gly Tyr Ser His Gly Ser Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9398

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9398

Ala Gln Ala Thr Phe Pro Glu Lys Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9399

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9399

Ala Gln Thr Gly Pro Thr His Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9400

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9400

Ala Gln Thr Asn Asp Arg His Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9401

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9401

Ala Gln Arg His Leu Ala Ser Val Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9402

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9402

Ala Gln Asn Met Ile Gln Pro Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9403

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9403

Ala Gln Asn Leu Ser Gly Ser Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9404

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9404

Ala Gln Gln Thr Val Gly Pro Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9405

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9405

Ala Gln Val Gly His Leu Ser Arg Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9406

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9406

Ala Gln Gln Asn Phe Asn Ala Gly His Ala Gln

1 5 10

<210> 9407

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9407

Ala Gln Leu Thr Gly Ala Ala Arg Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9408

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9408

Ala Gln Gly Thr Arg Pro Thr Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9409

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9409

Ala Gln Met Pro Leu Ser Val Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9410

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9410

Ala Gln Asp Arg Val Gln Gln Phe Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9411

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9411

Ala Gln Asn Asn Asp Thr Ser Thr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9412

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9412

Ala Gln Pro Ser Lys Asn Thr His Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9413

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9413

Ala Gln Pro Phe Lys Ala Asp Val Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9414

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9414

Ala Gln Pro Lys Thr Pro Thr Tyr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9415

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9415

Ala Gln Leu Thr Asn Met Thr Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9416

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9416

Ala Gln Gly Ser Lys Val His Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9417

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9417

Ala Gln Ser Ile Pro Gly Tyr Asn Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9418

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9418

Ala Gln Met Lys Thr Ala Glu Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 9419

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9419

Ala Gln Asn Gly Asp Arg Leu Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9420

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9420

Ala Gln Gly Thr Thr His Thr Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9421

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9421

Ala Gln Leu Gly Pro Ser Thr Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9422

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9422

Ala Gln Met Asn Ala Leu Thr Asp Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9423

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9423

Ala Gln Ser Ser Lys Glu Ile Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9424

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9424

Ala Gln Leu Asp Asn Gly Thr Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9425

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9425

Ala Gln Arg Val Asn Phe Asn Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9426

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9426

Ala Gln Asn Met Gln Ala Ile Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9427

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9427

Ala Gln Asn Thr Asn Pro Arg Ser Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9428

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9428

Ala Gln Lys Ile Asn Ser Asn Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9429

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9429

Ala Gln Val Pro Leu Gly Lys Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9430

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9430

Ala Gln Arg Leu Asn His Asn Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9431

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9431

Ala Gln Gln Leu Asn Thr Val Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9432

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9432

Ala Gln Asp Ser Phe Gly Lys Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9433

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9433

Ala Gln Lys Pro Pro Lys Leu Val Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9434

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9434

Ala Gln Gln Ile Thr Val Gly Lys Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9435

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9435

Ala Gln Gln His Pro His Gly Gln Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9436

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9436

Ala Gln Thr Ser Thr Asn Met Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9437

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9437

Ala Gln Gln Gly Gly Leu Ala Val Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9438

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9438

Ala Gln Gly Arg Gly Ser Leu Pro Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 9439

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9439

Ala Gln Ser Gly Lys Pro Ala Ser Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9440

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9440

Ala Gln Arg Ser Val Ser Val Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9441

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9441

Ala Gln Asp Arg Gly Gly Val Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9442

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9442

Ala Gln Gly Arg Glu Thr Gly Phe Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9443

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9443

Ala Gln Gln Ile Val Pro Ser Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9444

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9444

Ala Gln Thr Thr Leu Gly His Ser Tyr Ser Gln

1 5 10

<210> 9445

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9445

Ala Gln Ser Arg Glu Phe Gln Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9446

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9446

Ala Gln Gly Arg Asp His Asn Ile Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9447

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9447

Ala Gln Ser Asn Asn Ser Arg Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9448

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9448

Ala Gln Lys Asn Gln Ser Ser Asp Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9449

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9449

Ala Gln Pro Asn Asp Arg Ala His Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9450

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9450

Ala Gln Ala Leu Thr Arg Thr Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9451

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9451

Ala Gln Met Arg Pro Pro Ser Asp Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9452

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9452

Ala Gln Thr Asn Ser Thr Thr Lys Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9453

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9453

Ala Gln Gly Arg His Gly Met Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9454

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9454

Ala Gln Val Ser His Ile Ser Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9455

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9455

Ala Gln Lys Val Thr Ser Asn Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9456

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9456

Ala Gln Met Tyr Gly Pro Gly Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9457

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9457

Ala Gln Val Leu Arg Ser Asn Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9458

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9458

Ala Gln Asn Ser Ser Ser Ser Asn Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9459

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9459

Ala Gln Ser Thr Glu Lys Ser Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9460

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9460

Ala Gln Asn Thr Asn Gly Asn Lys Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9461

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9461

Ala Gln Ile Thr Thr Asn Leu Gly Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9462

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9462

Ala Gln Ile Gln Lys Pro Gln Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9463

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9463

Ala Gln Val Arg Asp Ala Ala Tyr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9464

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9464

Ala Gln Ala Arg Ser Ser Thr Gly Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9465

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9465

Ala Gln Thr Ser Val His Asn Lys Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9466

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9466

Ala Gln Thr Ile Ser Thr His Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9467

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9467

Ala Gln Thr Val Thr Asn Ile Asn Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 9468

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9468

Ala Gln Ser Ile Asn Ser Asn His Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9469

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9469

Ala Gln Gln Lys Ala Gly Tyr Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9470

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9470

Ala Gln Ala Arg Asp Thr Val Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9471

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9471

Ala Gln Tyr Lys Asp Gln Thr Lys Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9472

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9472

Ala Gln Asn Ile Gly Leu Asn Pro Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9473

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9473

Ala Gln Gly Ser Thr Asn Met Ile Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 9474

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9474

Ala Gln Ile Asp Ala Lys Gly Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9475

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9475

Ala Gln Val Val Ser His Asn Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9476

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9476

Ala Gln Thr Val Ser Leu Lys Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9477

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9477

Ala Gln Tyr Ser Gly Ser Asn Tyr His Ala Gln

1 5 10

<210> 9478

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9478

Ala Gln Pro Ser Asp Ala Thr Met Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9479

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9479

Ala Gln Trp Gly Glu Thr Thr Asn Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9480

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9480

Ala Gln Asn Tyr His Lys Thr Met Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9481

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9481

Ala Gln Ala Arg His Glu Leu Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9482

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9482

Ala Gln His Asn Leu Thr Arg Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9483

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9483

Ala Gln Gly Pro Gln Ile Gly Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9484

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9484

Ala Gln Met Arg Ala Asp Ser Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9485

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9485

Ala Gln Val Ala Asn Gly Pro Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9486

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9486

Ala Gln Thr Lys Asn Leu Asn Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 9487

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9487

Ala Gln Asp Arg Leu Gly Ala Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9488

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9488

Ala Gln Asn Ile Gly Ser Gly Gln Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9489

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9489

Ala Gln Gly Arg Glu Met Thr Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9490

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9490

Ala Gln Ile Met Ala Ala Ala His Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9491

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9491

Ala Gln Ser Asp Gln Arg Ile His Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9492

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9492

Ala Gln Val Ser Gly Gln Thr Asn Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9493

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9493

Ala Gln Tyr Ser Leu Gly Ser Glu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9494

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9494

Ala Gln Ser Thr Leu Lys Ala Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9495

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9495

Ala Gln Ser Ala Leu Ile Pro Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9496

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9496

Ala Gln Thr Ser Gln Ala Gly Asn Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9497

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9497

Ala Gln Lys His Ala Ser Leu Pro Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9498

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9498

Ala Gln Leu Asp Gln Leu Thr Lys Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9499

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9499

Ala Gln Met Ala Arg Ser Thr Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9500

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9500

Ala Gln Ser Tyr Asn His Ile Glu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9501

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9501

Ala Gln Val Asn His Ile Gln Pro Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9502

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9502

Ala Gln Ser Arg Ala Glu Pro Lys Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9503

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9503

Ala Gln Ala Ser His Ile Gly Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9504

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9504

Ala Gln His Gln Gly Phe Ala Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9505

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9505

Ala Gln Glu Gly Lys Ser Ile Met Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9506

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9506

Ala Gln Leu Thr Gly Met His Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9507

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9507

Ala Gln Ser Asn Pro Ser Thr Ile His Ala Gln

1 5 10

<210> 9508

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9508

Ala Gln Ser Arg Asp Gln Pro Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9509

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9509

Ala Gln Lys Thr Ala Glu Pro Tyr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9510

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9510

Ala Gln Ile Gly Ser Asn Pro Asp Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9511

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9511

Ala Gln Leu Ala Ser Thr Phe Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9512

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9512

Ala Gln Leu Val Arg Leu Asn Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9513

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9513

Ala Gln Phe Gln Asp Leu Arg Ala Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9514

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9514

Ala Gln Ile Ser His Ser Pro Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9515

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9515

Ala Gln Phe Gln Asp Gly Gln Arg Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9516

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9516

Ala Gln Asp Thr Arg Glu Ala Phe Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9517

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9517

Ala Gln Leu Val Ala Asp Ala Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9518

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9518

Ala Gln Ser Phe Ser Ser Gly Ala Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9519

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9519

Ala Gln Asp Val Leu Thr Gly Lys Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9520

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9520

Ala Gln Lys Met Val Leu Asn Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9521

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9521

Ala Gln Arg Lys Ile Asp Thr Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9522

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9522

Ala Gln Met Ser Gln Val Ile Thr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9523

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9523

Ala Gln Thr Tyr Asp Thr Arg Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9524

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9524

Ala Gln Tyr Arg Asp Gly Ser Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9525

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9525

Ala Gln Gly Asn Ile Ser Pro Ala Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9526

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9526

Ala Gln Lys Ala Gly Leu Gly Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9527

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9527

Ala Gln Arg His Val Glu Lys Asp Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9528

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9528

Ala Gln Lys Glu Val Arg Ala Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9529

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9529

Ala Gln Glu Ser Lys Pro Leu Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9530

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9530

Ala Gln Thr Leu Ser His Asn Ser Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9531

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9531

Ala Gln Val Gly Ser Tyr Thr Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9532

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9532

Ala Gln Gln Ser Ala Thr Ser Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9533

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9533

Ala Gln His Ala Asn Gly Leu Arg Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9534

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9534

Ala Gln Arg Met Ser His Asp Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9535

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9535

Ala Gln Lys His Ser Gly Leu Glu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9536

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9536

Ala Gln Lys Leu Ser Thr Ala Ile Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9537

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9537

Ala Gln Asn Ser Lys Gln Leu Leu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9538

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9538

Ala Gln Ser Leu His Asn Asn Arg Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9539

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9539

Ala Gln Ser Ala Asp Arg Ser Ile Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9540

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9540

Ala Gln Pro Thr Gly Arg Pro Gln Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9541

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9541

Ala Gln Lys Thr Val Gln Glu Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9542

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9542

Ala Gln Ser Thr Lys Ala Leu Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9543

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9543

Ala Gln Ser Asn Gln Ser Thr Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9544

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9544

Ala Gln Gly Val Glu Gly Ser Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9545

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9545

Ala Gln Leu His Gln Gly Pro Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9546

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9546

Ala Gln Val Asp Ser Arg Asn Val Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9547

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9547

Ala Gln Leu Gly Lys Gln Thr Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9548

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9548

Ala Gln Ser Gly Asn Arg Thr Asn Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9549

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9549

Ala Gln Val Lys Gly Tyr Ala Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9550

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9550

Ala Gln Ala Ser Val Ser Ser Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9551

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9551

Ala Gln Leu Gln Leu Lys Ser Gly Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9552

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9552

Ala Gln Asp Met Arg Ala Ser Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9553

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9553

Ala Gln Leu Thr Ala Thr Leu Pro Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 9554

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9554

Ala Gln Ser Asn Ala Pro Asn Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 9555

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9555

Ala Gln Lys Val Glu Ser Ser Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9556

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9556

Ala Gln Trp Ser Asn Ser Thr Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9557

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9557

Ala Gln Ser Leu Ile His Thr Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9558

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9558

Ala Gln Thr Leu Ser Ser Pro His Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9559

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9559

Ala Gln Val Pro Arg Phe Asn Gly Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9560

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9560

Ala Gln Phe Asn His Ser Gly Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9561

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9561

Ala Gln Trp Val Asp Thr Asn Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9562

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9562

Ala Gln His Ser Asp Gly Ser Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9563

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9563

Ala Gln Arg Gln Ala Val Gln Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9564

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9564

Ala Gln Met His Ser Gly Ile Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9565

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9565

Ala Gln Val Lys Asp Gln Gly Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9566

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9566

Ala Gln Arg Pro Thr Leu Ser Asn Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9567

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9567

Ala Gln Val Ser Lys Ser Ala Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9568

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9568

Ala Gln Lys Asp Ser His Leu Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9569

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9569

Ala Gln Val Gly Val Arg Met Thr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9570

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9570

Ala Gln Ala Asp Arg Leu Leu Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9571

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9571

Ala Gln Gly Ser Glu Leu Arg Thr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9572

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9572

Ala Gln Met Lys Leu Ser Thr Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9573

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9573

Ala Gln Gln Ala Tyr Asn Ile Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9574

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9574

Ala Gln Val Gly Gly Asn Ile Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9575

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9575

Ala Gln Ser Tyr Gln Gln Thr Leu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9576

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9576

Ala Gln Met Arg Pro Thr Pro Thr Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9577

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9577

Ala Gln Arg Lys Ala Asn Asp Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9578

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9578

Ala Gln Ile Ser Gly Thr Ala Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9579

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9579

Ala Gln Tyr Val Gln Leu Asn Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9580

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9580

Ala Gln Thr Glu Lys Gly Trp Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9581

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9581

Ala Gln Ser Pro Gln Arg His Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9582

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9582

Ala Gln Tyr Thr His Met Thr Glu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9583

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9583

Ala Gln Asp Arg Ser Met Gln Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9584

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9584

Ala Gln Asp Thr Met Asn Ala Met Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9585

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9585

Ala Gln Leu Lys Pro Gly His Met Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9586

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9586

Ala Gln Gln Phe Asn Ser Lys Asp Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9587

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9587

Ala Gln Trp Thr Asn Ser Arg Pro Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9588

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9588

Ala Gln Leu Leu Thr Thr Ser Ser Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9589

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9589

Ala Gln Gln Arg Ala Ser Ser Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9590

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9590

Ala Gln Pro Lys Glu Ser Asn Asn Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9591

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9591

Ala Gln Ala Lys His Val Ala Thr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9592

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9592

Ala Gln Thr Gln Ser Ser Thr Tyr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9593

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9593

Ala Gln Pro Arg Thr Ser Thr Asn Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9594

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9594

Ala Gln Arg Leu Ala Ser Asn Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9595

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9595

Ala Gln Gly Pro Leu Gln Thr Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9596

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9596

Ala Gln Lys Val Ser Ala Met Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9597

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9597

Ala Gln Ala Gly Lys Tyr Val Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9598

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9598

Ala Gln Pro Lys Ser Gly Ser Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9599

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9599

Ala Gln Phe Ile Ser Asn Gly Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9600

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9600

Ala Gln Asn Leu Asn Ala Met His Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9601

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9601

Ala Gln Glu Ser His Ala Arg Glu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9602

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9602

Ala Gln Thr Val Val Gly Val Arg Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9603

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9603

Ala Gln Ala Lys Ala Thr Val Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9604

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9604

Ala Gln Thr Lys Thr Val Asn Met Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9605

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9605

Ala Gln Gln Ser Ser Leu Lys Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9606

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9606

Ala Gln Asn Ala Gln Arg Thr Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9607

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9607

Ala Gln Asn Arg Arg Asp Ala Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9608

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9608

Ala Gln Gly Asn Gln Asn Thr Leu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9609

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9609

Ala Gln Thr Arg Val Ser Gly Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9610

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9610

Ala Gln Val Thr Thr Ala Met Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9611

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9611

Ala Gln Asp Arg Thr Pro Ile Ala His Ala Gln

1 5 10

<210> 9612

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9612

Ala Gln Leu Pro Leu Asn Ser Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9613

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9613

Ala Gln Pro Gln Ala Ser Gln Ala Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9614

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9614

Ala Gln Thr Ala Arg Asn Val Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9615

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9615

Ala Gln Leu Asn Gly Ile Leu Ser Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9616

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9616

Ala Gln Leu Gln Asp Lys Thr Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9617

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9617

Ala Gln Tyr Arg Gly Glu Asn Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9618

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9618

Ala Gln Val Asn Lys Gln Leu Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9619

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9619

Ala Gln Val Leu Lys Asp Asp Gly His Ala Gln

1 5 10

<210> 9620

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9620

Ala Gln Thr Arg Gly Glu Val Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9621

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9621

Ala Gln Glu Phe Gln Arg Met His Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9622

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9622

Ala Gln Ile Ser Pro Met Ser Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9623

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9623

Ala Gln Leu Gly His Asp His Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9624

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9624

Ala Gln Leu Ser Pro Gly Pro Gln Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9625

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9625

Ala Gln Lys Phe Arg Gly Glu Glu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9626

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9626

Ala Gln Gln Gly Ser Arg Leu Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9627

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9627

Ala Gln Trp Glu Arg Ser Gln Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9628

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9628

Ala Gln Gln Gln Lys Ala Ala Asn Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9629

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9629

Ala Gln Tyr Thr Leu Ser Leu Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9630

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9630

Ala Gln Gly Leu Ile Pro Asn Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9631

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9631

Ala Gln Ser Val Pro Val Ser Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9632

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9632

Ala Gln Asn Lys Gln Gln Ser Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9633

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9633

Ala Gln Ser Lys His Ser Val Gln Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9634

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9634

Ala Gln Asn Arg Pro Ser Gln Gln Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9635

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9635

Ala Gln Gln Glu Tyr Arg Asn Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9636

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9636

Ala Gln Phe Glu Arg Asp Arg Met Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9637

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9637

Ala Gln Ser Thr Ser Ser Asn Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9638

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9638

Ala Gln Arg Ser Leu Glu Gly Ile Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9639

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9639

Ala Gln Gly Asn Ser Arg Leu Asp Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9640

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9640

Ala Gln Ile Asp Thr Ile Gly Lys Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9641

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9641

Ala Gln Leu Asp His Thr Ser Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9642

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9642

Ala Gln Trp Gly Gln Thr Asn Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9643

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9643

Ala Gln Ala Arg Gly Asn Leu Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9644

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9644

Ala Gln Asp Asn Met Lys Leu His Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9645

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9645

Ala Gln Glu Lys Thr Gln Gln Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 9646

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9646

Ala Gln Ser Asn Gly Leu Ala Arg Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9647

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9647

Ala Gln Val Val Ser His Arg Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9648

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9648

Ala Gln Ser Leu Gly Val Ser Arg Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9649

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9649

Ala Gln Asp His Ser His Gly Arg Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9650

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9650

Ala Gln Ser Thr His Gln Val Ala Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9651

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9651

Ala Gln Asn Gln Ser Ala Ser Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9652

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9652

Ala Gln Val Thr Val Gly Ser His Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9653

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9653

Ala Gln Ser Ser Asn Ile Ala Gln Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9654

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9654

Ala Gln Leu Asn Glu Met Ala Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9655

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9655

Ala Gln Ser Thr Lys Ile Glu Arg Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9656

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9656

Ala Gln Asn Leu Val Asp Ala Arg Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9657

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9657

Ala Gln Tyr Ser Thr Gly Lys Asp Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9658

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9658

Ala Gln Thr Gln Gly Ile Val Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9659

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9659

Ala Gln Ser Phe Gly Ala Thr Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9660

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9660

Ala Gln Thr Ala Gly Met Ser Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9661

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9661

Ala Gln Arg Asp Asn Ser Leu Ile Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9662

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9662

Ala Gln Lys Thr Asn Ala Asp Tyr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9663

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9663

Ala Gln Val Asn Pro His Arg Thr Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9664

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9664

Ala Gln Asp Ile Arg Gly Arg Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9665

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9665

Ala Gln Arg Glu Val Ser Ser Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9666

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9666

Ala Gln Val Ser Gln Gly Thr Arg Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9667

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9667

Ala Gln Lys Thr Pro Ile Met His Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9668

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9668

Ala Gln Leu Glu Ser Arg Asp Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9669

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9669

Ala Gln Val Leu Asn Ser Ser Met Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9670

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9670

Ala Gln Phe Arg Thr Val Thr Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9671

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9671

Ala Gln Thr Gly Ala Met Asn Met Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9672

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9672

Ala Gln Leu Lys Thr Gln Asn Tyr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9673

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9673

Ala Gln Gln Lys Thr Met Leu Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9674

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9674

Ala Gln Ser Asn Ile Ile Gly Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9675

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9675

Ala Gln Ser Val Ser Val Ser Lys Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9676

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9676

Ala Gln Ala Ala Gln Val Ser His Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9677

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9677

Ala Gln Ile Asn Val Val Glu Lys Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9678

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9678

Ala Gln Met Leu Arg Gly Asp Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9679

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9679

Ala Gln Asn Leu Pro Thr Met Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9680

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9680

Ala Gln Phe Gln Asp Lys Ile Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9681

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9681

Ala Gln Ser Arg Gln Thr Ile Glu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9682

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9682

Ala Gln Leu His Ser Lys Leu Asn Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9683

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9683

Ala Gln Thr Pro Ser Ala Ser Asn Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9684

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9684

Ala Gln Ala Asn Thr Ala Ile Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9685

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9685

Ala Gln Ser Pro Tyr Asn Gln Asn Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9686

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9686

Ala Gln Ser Gly Lys Gln Gln Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9687

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9687

Ala Gln Asn Leu Pro Val Gln Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9688

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9688

Ala Gln Pro Asn Leu Thr Thr Glu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9689

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9689

Ala Gln Ala Ser Leu Val Asn Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9690

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9690

Ala Gln Ser Thr Ala Gly Asp Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9691

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9691

Ala Gln Leu Arg Asp Thr Arg Thr Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9692

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9692

Ala Gln Leu Gln Gln Ala Gln Pro Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9693

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9693

Ala Gln Tyr Ser Pro His Val Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9694

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9694

Ala Gln Leu Gln Ile Lys Thr Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9695

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9695

Ala Gln Arg Val Pro Pro Asn Leu Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9696

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9696

Ala Gln Leu Ala Glu His Pro Lys Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9697

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9697

Ala Gln Ile Ala Ala Arg Ser Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9698

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9698

Ala Gln Ser Gly Lys Gln His Glu Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9699

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9699

Ala Gln Ile Gly Asn Leu Gln Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9700

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9700

Ala Gln Pro Asp Ala Ser Gln Arg Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9701

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9701

Ala Gln Ala Val Asp Arg Met Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9702

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9702

Ala Gln Phe Gly Arg Glu Lys Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9703

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9703

Ala Gln Leu Asn Asn Arg Pro Gln Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9704

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9704

Ala Gln Asn Phe His Gly Arg Thr Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9705

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9705

Ala Gln Gly Val Arg Leu Ser Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9706

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9706

Ala Gln Thr Val Asn Ser His Arg Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9707

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9707

Ala Gln Asn Ser Asn His Thr Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9708

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9708

Ala Gln Ala Asn Thr Ile Thr Val Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9709

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9709

Ala Gln Asp Val Thr Gln Ser Lys Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9710

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9710

Ala Gln Gly Asn His Ala Arg Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9711

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9711

Ala Gln Gln His Arg Asp Thr Ser Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9712

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9712

Ala Gln Leu Gln Gly Arg Leu Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9713

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9713

Ala Gln Ile Ser Met Arg Glu Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9714

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9714

Ala Gln Thr Arg Asn Phe Asp His Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9715

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9715

Ala Gln Ala Ser His Arg Ala Gln Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9716

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9716

Ala Gln Asn Gln Gln Ser Pro His Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9717

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9717

Ala Gln Arg Pro Gly Glu Ser Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9718

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9718

Ala Gln Ala Arg Asp Ser Ser Ile Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9719

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9719

Ala Gln Thr Gly Met Ser Thr Gln Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9720

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9720

Ala Gln Met Gly Val Lys Ala Asp Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9721

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9721

Ala Gln Gln Phe Lys Gly Ile Thr Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9722

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9722

Ala Gln His Asn Asn Ser Pro Thr His Ala Gln

1 5 10

<210> 9723

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9723

Ala Gln Asp Ser Asn Phe Thr Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9724

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9724

Ala Gln Ala Val Pro His Met Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9725

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9725

Ala Gln Val Val Ser Pro Asn Leu Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9726

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9726

Ala Gln Pro Phe Pro Lys Thr Leu Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9727

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9727

Ala Gln Gln Ser Ala Gly Leu Ala Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9728

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9728

Ala Gln Gly Lys Ala His Asp Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9729

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9729

Ala Gln Gln Arg Ile Ser Thr Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9730

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9730

Ala Gln Trp Leu Thr Thr Gly Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9731

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9731

Ala Gln Tyr Arg Ala Gln Gly Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9732

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9732

Ala Gln Val Met Lys Arg Tyr Asp Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9733

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9733

Ala Gln Leu Glu Tyr Ser Gln Arg Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9734

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9734

Ala Gln Leu Gln Lys Val His Leu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9735

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9735

Ala Gln Arg Ser His Ser His Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9736

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9736

Ala Gln His Thr Phe Thr Ser Thr Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9737

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9737

Ala Gln Ser Val Gly Ser Gly Pro Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9738

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9738

Ala Gln Gln Ser Phe Asn Gly Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9739

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9739

Ala Gln Val Thr Ala Ile Arg Gly Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9740

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9740

Ala Gln Leu Gly Lys Thr Ser Tyr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9741

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9741

Ala Gln Ser Thr Met Ala Met Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9742

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9742

Ala Gln Ala Ser Gly Arg Ser Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9743

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9743

Ala Gln Gly Arg Thr Pro Ala Val Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9744

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9744

Ala Gln Gly Arg Ile Asp Val Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9745

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9745

Ala Gln Thr Pro Lys Val Asn Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9746

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9746

Ala Gln Ser Val Arg Asn Ser Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9747

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9747

Ala Gln Val Asn Gly Ala Gln Gln Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9748

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9748

Ala Gln Asn Arg Ala Glu Ser Phe Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9749

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9749

Ala Gln His Asp Arg Ala Ser Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9750

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9750

Ala Gln Asp Ser Pro Ser Arg Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9751

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9751

Ala Gln Ser Asn Asn Ile His Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9752

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9752

Ala Gln Ile Asn Asn Ile Val Ile Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9753

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9753

Ala Gln Ile Arg Ser Ser Asp Glu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9754

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9754

Ala Gln Asn Met Pro Ser Leu Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9755

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9755

Ala Gln Asn Arg Thr Leu Glu Ser Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9756

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9756

Ala Gln Pro Gln His Asn Asn Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9757

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9757

Ala Gln Leu Gly Tyr Asn Ala His Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9758

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9758

Ala Gln Leu Lys His Gln Tyr Asp Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9759

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9759

Ala Gln His Tyr Ser Pro Thr Arg Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9760

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9760

Ala Gln Ser Tyr Arg Ser Thr Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9761

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9761

Ala Gln Val Thr Pro Thr Ala Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9762

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9762

Ala Gln Leu Glu Gln Arg Tyr Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9763

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9763

Ala Gln Met Asn Asn Ile Arg Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9764

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9764

Ala Gln Ser Ser Arg Asn Asp Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9765

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9765

Ala Gln Gly Thr Asp Arg Lys Pro Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 9766

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9766

Ala Gln Arg Val Asn Lys Glu Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9767

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9767

Ala Gln Thr Gly Arg Ser Leu Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9768

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9768

Ala Gln Met Lys Ser Ser Thr Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9769

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9769

Ala Gln Arg His Asp Leu Ala Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9770

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9770

Ala Gln Leu Met Ala Val Ser Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9771

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9771

Ala Gln Arg Glu Gly Ile Tyr Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9772

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9772

Ala Gln Asp Asn Lys Gly Ser Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9773

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9773

Ala Gln Lys Gly Gln Val Thr His Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9774

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9774

Ala Gln Ser Lys Thr Leu Asn Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9775

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9775

Ala Gln Arg Asn Pro Gln Val Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9776

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9776

Ala Gln Ser Ala Asn Ala Ser Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9777

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9777

Ala Gln Gly Tyr Met Lys Pro Ala Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9778

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9778

Ala Gln Ser Ser His Gly Pro Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9779

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9779

Ala Gln Ser Thr Arg Asn Pro Pro Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9780

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9780

Ala Gln Leu Asn Arg Ile Asn Glu Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9781

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9781

Ala Gln Gly Ala Ala Lys Ser Gln Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9782

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9782

Ala Gln Leu Pro Thr Leu His Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9783

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9783

Ala Gln Val Pro Ser Thr Ile Lys Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9784

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9784

Ala Gln Thr Ser Ser Met Arg Glu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9785

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9785

Ala Gln Leu Met Ser Ser Asn Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9786

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9786

Ala Gln Ala Lys Thr Gln Ser Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9787

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9787

Ala Gln Lys Glu Gly Gln Ser Arg Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 9788

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9788

Ala Gln Lys Val Asn Ser Ser Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9789

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9789

Ala Gln Arg Thr Thr Ser Leu Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9790

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9790

Ala Gln Met Thr Asn Gln Ser Ala His Ala Gln

1 5 10

<210> 9791

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9791

Ala Gln Pro His Ile Arg Gly Glu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9792

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9792

Ala Gln Arg Thr Gln Ser Ser Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9793

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9793

Ala Gln Met Phe Thr Thr Thr Gly Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9794

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9794

Ala Gln Ser Asn Ile Lys Leu Met Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9795

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9795

Ala Gln Ser Thr Gln Gly Thr Arg Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9796

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9796

Ala Gln Ile Leu Ser Gly Arg Asn Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9797

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9797

Ala Gln Gly Leu Lys Val Ser Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9798

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9798

Ala Gln Thr Gly Ala Asn Leu Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9799

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9799

Ala Gln Tyr Ser Leu Ser Met Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9800

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9800

Ala Gln Thr Phe Glu Arg Lys Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9801

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9801

Ala Gln Leu Gly Arg Ala Ser Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9802

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9802

Ala Gln Arg Thr Lys Thr Ser Asp Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9803

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9803

Ala Gln Leu Asn Pro His Leu Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9804

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9804

Ala Gln Ile Met Pro Asn Asn Thr Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9805

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9805

Ala Gln His Lys Ser Asp Ser Gly Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 9806

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9806

Ala Gln Asp Arg Leu Asn Lys Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9807

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9807

Ala Gln Met Ser Gly Gly Ser Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9808

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9808

Ala Gln Gln Arg Glu Gln Gly Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9809

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9809

Ala Gln Gly Gly Gly Asn Val Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9810

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9810

Ala Gln Asn Leu Lys Asn Ala Tyr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9811

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9811

Ala Gln Ser Lys Asn Asp Arg Pro Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9812

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9812

Ala Gln Arg Gly Ser Gly Gln Asp Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9813

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9813

Ala Gln Val Gly Ser Asn Thr Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 9814

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9814

Ala Gln Ser Pro Arg Ile Gly Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9815

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9815

Ala Gln Gly Thr Leu Lys Glu Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9816

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9816

Ala Gln Ser Ile Gln Arg Thr Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9817

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9817

Ala Gln Arg Gly Glu Ser Asn Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9818

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9818

Ala Gln Glu Pro Ser Asn Ala Arg Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9819

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9819

Ala Gln Ser Gln Ala Thr Met Asn Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9820

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9820

Ala Gln Ala Gln Gly Thr Ser Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9821

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9821

Ala Gln Tyr Met Ser Lys Asn Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9822

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9822

Ala Gln Asn Thr Thr Asn Met Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9823

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9823

Ala Gln Ser Lys Ala Ser Lys Thr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9824

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9824

Ala Gln Met Ala Gly Ser Ile Val Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9825

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9825

Ala Gln Val Asn Ser Ser Gln Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9826

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9826

Ala Gln Thr Arg Ser Ala Leu Leu Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9827

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9827

Ala Gln Gly Ile Ser Tyr Ser Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9828

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9828

Ala Gln His Gly Arg Glu Val Pro Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9829

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9829

Ala Gln Thr Arg Ser Ala Asp Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9830

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9830

Ala Gln Ser Gly Asn Ser Ser Arg Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9831

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9831

Ala Gln Thr Thr Lys Gly Asn Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9832

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9832

Ala Gln Asp Met Arg Ser Thr Arg Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9833

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9833

Ala Gln Leu Gly Asn Ser Leu Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9834

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9834

Ala Gln Leu Thr Ser Met Ser Ile Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9835

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9835

Ala Gln Gly Thr His Ile Lys Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9836

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9836

Ala Gln Thr Gln Gly Arg Ile Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9837

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9837

Ala Gln Leu Gly Gly Asn Asn Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9838

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9838

Ala Gln Met Ser Ala Asn Asn Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9839

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9839

Ala Gln Val Thr Asn Pro Met Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9840

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9840

Ala Gln Glu Ala Tyr Lys Ser Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9841

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9841

Ala Gln Arg Pro Asn Asn Gln Gly Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9842

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9842

Ala Gln Met Asn Phe Ala Gly Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9843

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9843

Ala Gln Lys Thr Asn His Ser Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9844

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9844

Ala Gln Asn Gly Tyr Gly Ser Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9845

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9845

Ala Gln Lys Thr Gly His Gln Phe Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9846

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9846

Ala Gln Thr Ala Arg Thr Leu Gln Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9847

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9847

Ala Gln Gln Ala Ser Thr Thr Gln Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9848

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9848

Ala Gln Thr Ala Phe Asp Thr Arg Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9849

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9849

Ala Gln Val Asn Ser His Val Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9850

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9850

Ala Gln Ser Pro Leu His Ser Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9851

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9851

Ala Gln Leu Ser Arg Val Thr Ile Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9852

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9852

Ala Gln Thr Gln His Asn Val Asp Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9853

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9853

Ala Gln Thr Phe Gln Thr Ser Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9854

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9854

Ala Gln Ser Asn His Val Ser Val Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9855

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9855

Ala Gln Met Leu His Ser Ser Ile Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9856

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9856

Ala Gln Leu Lys Ala Thr Asp Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9857

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9857

Ala Gln Leu Gly Asn Met His Asn Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9858

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9858

Ala Gln Ile Asn Arg Leu Ile Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9859

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9859

Ala Gln Thr Arg Ser Asn Leu Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9860

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9860

Ala Gln His Ser Asn Gly Val Arg Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9861

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9861

Ala Gln Ala Gly Asn Pro Arg Glu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9862

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9862

Ala Gln Arg Ala Arg Asp Val Asp Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9863

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9863

Ala Gln Val Ser Asn Gly Pro Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9864

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9864

Ala Gln Ala Asn Gln Arg Gly Val Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9865

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9865

Ala Gln Met Arg Ser Glu Thr Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9866

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9866

Ala Gln Lys Pro Ser Ser Gln Leu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9867

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9867

Ala Gln Ser Leu Arg Pro His Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9868

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9868

Ala Gln Gly Ser Asn Ala Ser Lys Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 9869

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9869

Ala Gln Thr Asn Arg Asp Leu Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9870

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9870

Ala Gln Trp Gly Ser Thr Ala Gly Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9871

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9871

Ala Gln Ile Ser Gly Ala Asp Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9872

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9872

Ala Gln Ser Ala Val Arg Ser Pro Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9873

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9873

Ala Gln Arg Val Ser His Thr Glu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9874

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9874

Ala Gln Lys Ala Asn Ser Gln Ile Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9875

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9875

Ala Gln Pro Ser Val Tyr Arg Glu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9876

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9876

Ala Gln Thr Thr Asn Phe Val Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9877

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9877

Ala Gln Asn Leu Met Pro Thr Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9878

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9878

Ala Gln Thr Asn His Thr Gly Ser Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9879

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9879

Ala Gln His Trp Asn Gly Thr Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9880

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9880

Ala Gln His Lys Ser Ile Gly Gln Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9881

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9881

Ala Gln Thr Arg Pro Ile Pro Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9882

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9882

Ala Gln Asn Pro Gly Met Ser Arg Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9883

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9883

Ala Gln Ile Ala Asn Arg Val Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9884

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9884

Ala Gln Thr Ala Leu Ala Asn Gln Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9885

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9885

Ala Gln Thr Ser Leu Ser Ser Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9886

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9886

Ala Gln Ala Leu Thr Gly Asn Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9887

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9887

Ala Gln Met Gln Thr Lys Asn Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9888

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9888

Ala Gln Gln Ala Thr Lys Thr Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9889

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9889

Ala Gln Leu His Thr Thr Ser Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9890

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9890

Ala Gln Tyr Val Gln Ser Ser Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9891

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9891

Ala Gln Thr Met Lys Ile Arg Thr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9892

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9892

Ala Gln Lys Ser His Ser Pro Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9893

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9893

Ala Gln Lys Ala Val Asp Pro Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9894

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9894

Ala Gln Asn Ala Pro Pro Met Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9895

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9895

Ala Gln Ile Asn Lys Met Phe Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9896

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9896

Ala Gln Tyr Ala Lys Ala Thr Leu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9897

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9897

Ala Gln His Leu Ala Arg Pro Ser Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9898

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9898

Ala Gln Gln Leu Asn Ser Asp Arg Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9899

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9899

Ala Gln Met Arg Pro Asp Thr Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 9900

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9900

Ala Gln Gly Val Ala Met Ser Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9901

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9901

Ala Gln Gly His Ser Arg Pro Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9902

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9902

Ala Gln Val Phe Gln Ala Thr Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9903

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9903

Ala Gln Thr Ser Leu Thr Ser Tyr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9904

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9904

Ala Gln Lys Leu Asn Thr Gly Asp Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 9905

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9905

Ala Gln Arg Thr Asn Glu Thr Ile Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9906

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9906

Ala Gln Arg Leu Gln Asn Ser Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9907

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9907

Ala Gln Thr Ser Arg Leu Thr Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9908

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9908

Ala Gln Ser Asn Thr Thr Phe Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9909

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9909

Ala Gln Asp Gln Arg Ser Ser Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9910

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9910

Ala Gln Val Gly Ser Gly Gly Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9911

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9911

Ala Gln Arg Ser Thr Asn Ala Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9912

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9912

Ala Gln Met Ala Gly Gln Gln Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9913

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9913

Ala Gln Ile Arg Asn Ser Ala Pro Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9914

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9914

Ala Gln Leu Ser Thr Lys Ser Phe Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9915

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9915

Ala Gln Trp Pro Gly Ser Ile Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9916

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9916

Ala Gln Thr Gly Gly Val His Ala Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9917

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9917

Ala Gln Ser Glu Arg Ser Ser Met Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9918

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9918

Ala Gln Phe Gln Asn Gly Arg Asn Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9919

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9919

Ala Gln Gly Gly Ser Arg Leu Pro Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9920

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9920

Ala Gln Gly Gly Asn Ser Leu Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9921

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9921

Ala Gln Ser Lys Lys Ile Asp His Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9922

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9922

Ala Gln Tyr Arg Asp Thr Leu Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9923

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9923

Ala Gln Leu His Ser Gly Glu Arg Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9924

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9924

Ala Gln Ile Met Pro His Gly Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9925

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9925

Ala Gln Thr Ala Arg Thr Leu Asn Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9926

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9926

Ala Gln Ala Ser Val Gln Gly His Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9927

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9927

Ala Gln Leu Asn Asn Ala Gly Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9928

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9928

Ala Gln Gly Leu Arg Gly Ser His Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9929

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9929

Ala Gln Phe Val Arg Asp Ser Tyr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9930

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9930

Ala Gln Gly Arg Phe Thr Gly Thr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9931

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9931

Ala Gln Arg Gln Asn Pro Ile Glu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9932

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9932

Ala Gln Val Arg Asp Lys Phe Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9933

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9933

Ala Gln Leu Pro Ser Asn Ser Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9934

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9934

Ala Gln Val Arg Gln Glu His Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9935

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9935

Ala Gln Ile Arg Gln Gly Pro Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9936

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9936

Ala Gln Asp Tyr Ser Lys Ser Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9937

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9937

Ala Gln Met Ser Asn Val Asn Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9938

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9938

Ala Gln Met Ser Ser Gly Arg Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 9939

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9939

Ala Gln Gly Leu Arg Asp Ile Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9940

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9940

Ala Gln Leu Ile Ser Ala His Lys Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9941

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9941

Ala Gln Pro Ile Asn Thr His Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9942

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9942

Ala Gln Met Pro His Val Gly Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9943

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9943

Ala Gln Tyr Gly Ser Ser Ala Ile Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9944

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9944

Ala Gln His Ala Ser Met Pro Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9945

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9945

Ala Gln Phe Gly Glu Asn Ala Arg Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 9946

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9946

Ala Gln Ser Arg His Asp Leu Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9947

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9947

Ala Gln Arg Ser Gln Gly Ala Asn Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9948

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9948

Ala Gln Ala Asn Ser Asn Ser His Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9949

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9949

Ala Gln Gln Ala Arg Gln Asn Gln Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9950

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9950

Ala Gln Gly Val Ala Ser Asn Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9951

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9951

Ala Gln Lys Tyr Ser Ser Ser Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9952

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9952

Ala Gln Ser Ala Lys Thr Leu Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9953

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9953

Ala Gln Gly Ile Arg Thr Thr Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9954

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9954

Ala Gln Met Asn Thr Thr Ile Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9955

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9955

Ala Gln Leu Lys Asn Thr Ser Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9956

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9956

Ala Gln Thr Asn Arg Ala Ala Thr Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9957

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9957

Ala Gln His Gly Tyr Pro Asn Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9958

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9958

Ala Gln Trp Gly Tyr Arg Gly Ala Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9959

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9959

Ala Gln Leu Leu Val Thr Asn Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9960

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9960

Ala Gln Lys Asn Arg Leu Pro Pro Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9961

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9961

Ala Gln Tyr Arg Ser Gln Glu His Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9962

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9962

Ala Gln His Gly Gly Arg Val Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9963

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9963

Ala Gln Gly Gln Asn Arg Leu Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9964

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9964

Ala Gln Gln Ser Val Ser Ala Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 9965

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9965

Ala Gln Gln Arg Pro Ile Pro Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9966

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9966

Ala Gln Gln Arg Ala Ile Gly Ile Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9967

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9967

Ala Gln Phe Gly His Val Gly Ile Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9968

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9968

Ala Gln Phe Glu His Val Arg Ser Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 9969

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9969

Ala Gln Lys Ser Val Thr Ser Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9970

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9970

Ala Gln Leu Thr Gly Asn Val Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9971

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9971

Ala Gln Asn His Ala Tyr Pro Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9972

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9972

Ala Gln Met Pro Gln Gly Lys Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9973

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9973

Ala Gln Leu Arg Thr Ala Ala Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9974

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9974

Ala Gln Asp Ser Gln His Arg Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9975

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9975

Ala Gln Phe Leu Asn Glu His Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9976

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9976

Ala Gln Asn Ser Thr Gly Thr Ser Met Ala Gln

1 5 10

<210> 9977

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9977

Ala Gln His Ser Pro Pro Met Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9978

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9978

Ala Gln Leu Met Ser Gln Arg Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9979

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9979

Ala Gln Asn Thr Asn Val Asn Pro Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9980

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9980

Ala Gln Trp Gly Gly Tyr Ser Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9981

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9981

Ala Gln Tyr Ser Leu Asn Pro Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 9982

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9982

Ala Gln Lys Glu Ser Lys Asp Arg Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9983

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9983

Ala Gln Lys Leu Val Ser Ser Pro Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 9984

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9984

Ala Gln Asn Thr Ala Ser His Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9985

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9985

Ala Gln Asp Met Ser Asn Lys Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 9986

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9986

Ala Gln Leu Val His Lys Asp Phe Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 9987

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9987

Ala Gln Lys Pro Ala Leu Ala Gln Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9988

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9988

Ala Gln Gly Asn Ala Gln Pro Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 9989

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9989

Ala Gln Arg Val Ala His Thr Glu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 9990

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9990

Ala Gln Val Ser Ala Ser Phe Met Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9991

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9991

Ala Gln Arg Val Leu Thr Ala Asp Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9992

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9992

Ala Gln Thr Val Val Gly Thr Lys Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 9993

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9993

Ala Gln Leu Ala Arg Thr Gln Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9994

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9994

Ala Gln Met Ser Ser Ser His Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 9995

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9995

Ala Gln Pro Ser Ser Lys Ser Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 9996

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9996

Ala Gln Tyr Ser Gly Ala Met Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 9997

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9997

Ala Gln Pro Pro Pro Thr Lys Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 9998

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9998

Ala Gln Ser Ala Pro His Ala Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 9999

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 9999

Ala Gln Ala Ser Lys Pro Met Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10000

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10000

Ala Gln Thr Leu Thr Tyr Gly Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 10001

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10001

Ala Gln Ala Arg Ser Asp Ser Lys Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 10002

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10002

Ala Gln Met Ser Lys Ala Ala Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 10003

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10003

Ala Gln Ser Thr His Thr Ser Ala Val Ala Gln

1 5 10

<210> 10004

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10004

Ala Gln Thr Ala Arg Leu Gln Asp Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 10005

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10005

Ala Gln Arg Pro Val Leu Gly Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10006

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10006

Ala Gln Ala Ser Phe Lys Thr Glu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 10007

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10007

Ala Gln Val Thr Arg Thr Val Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10008

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10008

Ala Gln Asp His Ala Arg Ser Gly Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 10009

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10009

Ala Gln Thr Thr His Leu Thr Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10010

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10010

Ala Gln Val Pro Lys Ser Asn Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 10011

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10011

Ala Gln Arg Leu Gly Val Gly Pro Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 10012

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10012

Ala Gln Asn Asn Arg Gln Thr Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 10013

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10013

Ala Gln Arg Phe Thr Asn Asn Glu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10014

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10014

Ala Gln Ser Ser His Gln Met Arg Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 10015

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10015

Ala Gln Thr Thr Met Gly Thr Met Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 10016

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10016

Ala Gln Thr Asn Gly Gly Val Pro Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 10017

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10017

Ala Gln Lys Ser Asn Glu Gly Asn Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 10018

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10018

Ala Gln Asn Val Ala Met Thr Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 10019

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10019

Ala Gln Tyr Ser Gly His Thr Pro Met Ala Gln

1 5 10

<210> 10020

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10020

Ala Gln Gly Thr Pro Asn Arg Ala Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 10021

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10021

Ala Gln Arg Ser Gly Pro Thr Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10022

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10022

Ala Gln Ile Phe Asn Leu Lys Gln Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 10023

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10023

Ala Gln His Ala Met Ser Leu Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10024

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10024

Ala Gln Ser Glu Ser Met Leu Arg Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 10025

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10025

Ala Gln Leu Pro Arg Pro Pro Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10026

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10026

Ala Gln Leu Gly Leu Gly Ala Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10027

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10027

Ala Gln Ile Pro Lys Ser Ala Asp Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 10028

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10028

Ala Gln Ala Gln Ser Leu Arg Thr Met Ala Gln

1 5 10

<210> 10029

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10029

Ala Gln Met Leu Thr Ser Ser Leu Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 10030

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10030

Ala Gln Ile Tyr Arg Asp Asn Glu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 10031

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10031

Ala Gln Ser Pro Pro Thr Met Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10032

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10032

Ala Gln Pro Met Arg Ser Gly Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10033

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10033

Ala Gln Leu Leu Ser Lys Ser Ser Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 10034

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10034

Ala Gln Thr Ala Asn Phe Gln Glu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 10035

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10035

Ala Gln Ser Gly Asn Arg Pro Val Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 10036

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10036

Ala Gln Leu Asn Gln Val Asp Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 10037

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10037

Ala Gln Ile Thr Pro Ser Ser Ser Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 10038

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10038

Ala Gln Asp Val Ser Leu Thr Lys Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10039

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10039

Ala Gln Ile Asn Met Arg Thr Ala Val Ala Gln

1 5 10

<210> 10040

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10040

Ala Gln Ser Lys Asn Thr Gly Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10041

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10041

Ala Gln Gly Ser Ala His Gln Glu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10042

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10042

Ala Gln Ser Lys Asn Ala Leu Asn His Ala Gln

1 5 10

<210> 10043

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10043

Ala Gln Gly Lys Ala Val Ser Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10044

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10044

Ala Gln Tyr Ser Gly Thr Gly Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 10045

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10045

Ala Gln Ser Ile Pro Asp Arg Arg Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 10046

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10046

Ala Gln Asn Ile Ala Asn Leu Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10047

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10047

Ala Gln Ser Gly Ala Arg Glu Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 10048

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10048

Ala Gln Gly His Ser Tyr Thr Lys Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 10049

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10049

Ala Gln Thr Leu Asn Ser Ile Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10050

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10050

Ala Gln Leu Ser Leu Ser Ser Ile Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10051

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10051

Ala Gln Asn Val Ser Arg Val Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 10052

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10052

Ala Gln Tyr Asp Thr Thr Ala Asn Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 10053

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10053

Ala Gln Ile Asp Arg Leu Asn Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10054

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10054

Ala Gln Thr Thr Thr Asn Arg Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10055

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10055

Ala Gln Phe Asn Thr Val Arg Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 10056

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10056

Ala Gln Arg Thr Leu Ala Asp Glu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 10057

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10057

Ala Gln Arg His Thr Ile Glu Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10058

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10058

Ala Gln Gln Thr Met Gly Ser Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 10059

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10059

Ala Gln Leu Asn Arg Pro Gln His Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10060

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10060

Ala Gln Met Ser Val Ala Leu Arg Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 10061

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10061

Ala Gln Asp Asn Leu Ala Arg Met Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 10062

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10062

Ala Gln Thr Ala His Asn Ala Leu Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 10063

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10063

Ala Gln His Thr Asp Arg Ser Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 10064

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10064

Ala Gln Tyr Val Gly Gly Ile Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10065

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10065

Ala Gln Lys Pro Asn Gln Thr Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 10066

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10066

Ala Gln Ala Gly Ser Ser Leu Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10067

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10067

Ala Gln Ser Asn Val His Asp Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10068

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10068

Ala Gln Val Thr Lys Leu Gly Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10069

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10069

Ala Gln Arg Gly Val Glu Arg Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10070

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10070

Ala Gln Thr Ser Leu Ser Gly Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 10071

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10071

Ala Gln Leu Ser Leu Ser Thr Asn Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 10072

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10072

Ala Gln Leu Gly Gln Ile Thr Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10073

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10073

Ala Gln Asn Ala Ser Pro Gly Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10074

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10074

Ala Gln Met Lys Ala Asn Ser Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10075

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10075

Ala Gln His Lys Gly Met Ala Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10076

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10076

Ala Gln Gly Arg Asn Asn Tyr Pro Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 10077

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10077

Ala Gln Leu Pro Asp Gln Lys Trp Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 10078

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10078

Ala Gln Gly Val Asn Asn Arg Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10079

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10079

Ala Gln Asn Arg Ile Gly Met Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10080

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10080

Ala Gln Glu Lys Val Pro Ser Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 10081

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10081

Ala Gln Gly Arg Asp Ser Ser Asn Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10082

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10082

Ala Gln Thr Gly Arg Pro Asn Leu Met Ala Gln

1 5 10

<210> 10083

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10083

Ala Gln Val Ala Gly Arg Ser Pro Met Ala Gln

1 5 10

<210> 10084

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10084

Ala Gln Leu Pro His Val Ser Val Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10085

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10085

Ala Gln Leu Arg Thr Gly Ser Phe Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10086

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10086

Ala Gln Ala Gly Val Ser Ser Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10087

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10087

Ala Gln Trp Arg Asp Ser Gly His Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 10088

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10088

Ala Gln Ser Phe Gly Asn Arg Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 10089

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10089

Ala Gln Lys Val Ser His Asn Gly Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 10090

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10090

Ala Gln Asn Thr Pro Pro Tyr Val Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 10091

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10091

Ala Gln Lys Lys Asp Asn Asn Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10092

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10092

Ala Gln Thr Ile Lys Ser Leu Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 10093

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10093

Ala Gln Ile Asn Ala Met Arg Ser Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 10094

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10094

Ala Gln Gly Asn Ser Ile Ala Lys Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 10095

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10095

Ala Gln Val Thr Thr Pro Lys Ala Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 10096

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10096

Ala Gln Gly Ser Val Ala Gly Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 10097

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10097

Ala Gln Ser Ala Asn Asn Ala Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 10098

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10098

Ala Gln Asp Arg Leu Asn Pro Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10099

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10099

Ala Gln Arg Asn Gln Pro Thr Asp Val Ala Gln

1 5 10

<210> 10100

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10100

Ala Gln Thr Gln Val Gly Ser Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10101

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10101

Ala Gln Leu Ser Gln Val Ser Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10102

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10102

Ala Gln Asn Gly Ala Asn Leu Gln Met Ala Gln

1 5 10

<210> 10103

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10103

Ala Gln Met Leu Thr Thr Asn Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 10104

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10104

Ala Gln Thr Ser Thr Arg Pro Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10105

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10105

Ala Gln Lys Tyr Ile Gly Ser Gly Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 10106

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10106

Ala Gln Asn Asn Leu Thr Arg Val Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 10107

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10107

Ala Gln Lys Ile Glu Thr Met Met Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10108

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10108

Ala Gln Leu Ser His His Thr Arg Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 10109

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10109

Ala Gln Thr Arg Thr Asn Pro Thr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 10110

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10110

Ala Gln Ser Thr Arg Asn Val Val Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 10111

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10111

Ala Gln Ser Val Asp Leu Arg Lys Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 10112

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10112

Ala Gln Asn Ala Ala Ala Pro Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 10113

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10113

Ala Gln Thr Gln Ile Ala Ile Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10114

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10114

Ala Gln Gln Lys Asn Leu Ser Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10115

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10115

Ala Gln Thr Ser Met Gly Gly Glu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10116

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10116

Ala Gln Ser Thr Ser His Gln Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 10117

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10117

Ala Gln Leu Arg Gly Ser Met Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10118

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10118

Ala Gln Val Thr His Gln Ile His Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 10119

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10119

Ala Gln Asn Val Arg Asn Ala Pro Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 10120

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10120

Ala Gln Gln Ser Arg Ser Ala Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10121

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10121

Ala Gln His Asn Gln Ala Pro Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 10122

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10122

Ala Gln Ile Gly Ser Met His His Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 10123

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10123

Ala Gln Thr Asn Pro Gly Pro Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10124

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10124

Ala Gln Asn Thr Pro His Asn Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10125

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10125

Ala Gln Arg Val Ile Gly Asn Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10126

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10126

Ala Gln Ser Thr Gly Asn Arg Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 10127

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10127

Ala Gln Met Asn Ser Glu Val Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 10128

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10128

Ala Gln Gln Gln Ala Lys Gly Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 10129

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10129

Ala Gln Leu Gly Ile Gln Arg Gly Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 10130

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10130

Ala Gln His Val Gly Ala Ala Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10131

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10131

Ala Gln Lys Trp Asn Ser Thr Met Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 10132

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10132

Ala Gln Ser Arg Val Pro Glu Ser Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 10133

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10133

Ala Gln Leu Met Ala Lys Ser Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10134

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10134

Ala Gln Arg Pro Met Glu Pro Ser Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 10135

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10135

Ala Gln Gln Val Thr Ser Ser Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10136

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10136

Ala Gln Arg Asp Ala Asn Met Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10137

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10137

Ala Gln Gly Leu Leu Ser Gln Asp Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 10138

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10138

Ala Gln Thr Ile Asn Ala His Ser Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 10139

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10139

Ala Gln Leu Thr Gly Asn Lys Pro Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 10140

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10140

Ala Gln Thr Phe Asp Thr Asn Lys Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 10141

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10141

Ala Gln Thr Leu Gln Thr Thr Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 10142

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10142

Ala Gln Thr Ser Gln Met Arg Ser Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10143

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10143

Ala Gln Val Ser Pro Ser Asn Lys Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10144

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10144

Ala Gln Leu Asn Arg Thr Tyr Pro Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10145

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10145

Ala Gln Asn Ala Glu Leu Ala Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 10146

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10146

Ala Gln Arg Pro Asn Thr Thr Thr Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 10147

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10147

Ala Gln Thr Asn Arg Thr Gln Leu Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 10148

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10148

Ala Gln Pro Lys Ser Ser Gly Ile Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 10149

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10149

Ala Gln Asn Asn Ser Asn Thr Arg Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 10150

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10150

Ala Gln Arg Val Thr Asp Ala Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10151

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10151

Ala Gln Asp Thr Pro Thr Thr Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 10152

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10152

Ala Gln Asn Leu Asn Leu Ser Met Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10153

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10153

Ala Gln Pro Asn Arg Thr Ala Asn Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 10154

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10154

Ala Gln Trp Asn Arg Thr Ser Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10155

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10155

Ala Gln Gln Ser Asn Pro Val Ile Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10156

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10156

Ala Gln Ile Arg Asn Val Thr Ser Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 10157

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10157

Ala Gln Glu Val Thr Asp Thr Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 10158

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10158

Ala Gln Ala Gln Asn Lys Ser Gly Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10159

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10159

Ala Gln Tyr Ile Asn Gln Thr Glu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10160

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10160

Ala Gln Arg Val Pro Val Ser Glu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 10161

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10161

Ala Gln Gln Asn Gly Thr Lys Leu Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 10162

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10162

Ala Gln Gly Tyr Ser Asn Asn Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10163

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10163

Ala Gln Asn Arg Gly Met Gly Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 10164

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10164

Ala Gln Tyr Met Arg Asp Pro Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 10165

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10165

Ala Gln Ser Ile Pro Ser Arg Asp Val Ala Gln

1 5 10

<210> 10166

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10166

Ala Gln Gly Pro Val Ser Met Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10167

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10167

Ala Gln Ser Glu Gly Val Thr Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 10168

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10168

Ala Gln Ser Val Asn Ala Gly Ala Met Ala Gln

1 5 10

<210> 10169

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10169

Ala Gln Glu Met Thr Lys Thr Ile Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10170

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10170

Ala Gln His Ala Ser Val Lys Met Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10171

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10171

Ala Gln Asn Asn Gly Leu Lys Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10172

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10172

Ala Gln Pro Val Ser His Asn Ala Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 10173

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10173

Ala Gln Lys Val Ala Ala Ala Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10174

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10174

Ala Gln Met Ala Asn Ala Ile Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10175

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10175

Ala Gln Phe Gly Gln Ser Thr Ser Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 10176

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10176

Ala Gln Thr Ser Ser Thr Ile Leu Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 10177

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10177

Ala Gln Asn Val Ser Arg Ala Glu His Ala Gln

1 5 10

<210> 10178

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10178

Ala Gln Arg Thr Ala Pro Ser Thr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 10179

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10179

Ala Gln Leu Ala Arg Ser Glu His Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 10180

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10180

Ala Gln Ser Thr Gly His Pro Ser Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 10181

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10181

Ala Gln Ser Arg Pro Asp Lys Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 10182

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10182

Ala Gln Lys Lys Ser Asp Ser Pro Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 10183

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10183

Ala Gln Val Asn Ser Arg Ile Tyr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10184

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10184

Ala Gln Leu Arg Gln Met Ala Asn Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 10185

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10185

Ala Gln Glu Arg Leu Lys Gly Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10186

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10186

Ala Gln Met Ser Tyr Met Arg Val Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 10187

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10187

Ala Gln Phe Asn Ser Lys Leu Gln Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 10188

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10188

Ala Gln Arg Glu His Val Asn Asp Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10189

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10189

Ala Gln Gly Ser Pro Ser Gln Asn Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 10190

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10190

Ala Gln His Thr Ala Glu Lys Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10191

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10191

Ala Gln Ser Met Ser Gly Lys Leu Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 10192

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10192

Ala Gln Thr Ser Gln Ser Arg Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10193

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10193

Ala Gln Trp Pro Thr Gln Ser Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10194

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10194

Ala Gln Asp Asn Thr Thr Arg Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 10195

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10195

Ala Gln Ser Ser Ala Ala Gly Lys Trp Ala Gln

1 5 10

<210> 10196

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10196

Ala Gln Ser Lys Phe Ala His Val Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10197

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10197

Ala Gln Gln Thr Tyr Gln Gly Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 10198

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10198

Ala Gln Thr Val Asn Leu Asn Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10199

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10199

Ala Gln Arg Tyr Gly Ser Ser Leu Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10200

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10200

Ala Gln Arg Ser Asn Ser Ser Asn Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 10201

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10201

Ala Gln Gln Gly Pro Ser Ile Arg Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 10202

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10202

Ala Gln Trp Arg Asp Leu Ala Pro Val Ala Gln

1 5 10

<210> 10203

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10203

Ala Gln His Ser Asp Ile Gln Arg Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10204

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10204

Ala Gln Leu Ala Ala Met Thr Asn Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10205

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10205

Ala Gln Ser Ala Asn His Thr His Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 10206

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10206

Ala Gln Gly Lys Leu Ser Val Glu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 10207

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10207

Ala Gln Lys Pro Gly Ala Asn Pro Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10208

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10208

Ala Gln Leu Thr Glu Gly Arg His Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 10209

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10209

Ala Gln Leu Gly Ser Asn Ile Tyr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10210

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10210

Ala Gln Asn Gly Ala His Ser Ser Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 10211

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10211

Ala Gln Asn Thr Met Gly Gly Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10212

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10212

Ala Gln Arg Thr Pro Ile Gly Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10213

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10213

Ala Gln Tyr Ser Val Ala Gln Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10214

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10214

Ala Gln Pro His Ser Lys Gly Met Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 10215

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10215

Ala Gln Val Pro Ala His Gly Met Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 10216

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10216

Ala Gln Ile Gly Gly Val Pro Gln Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 10217

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10217

Ala Gln Val Gln Gly Thr Val Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 10218

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10218

Ala Gln Ser Gly Gly Ser Gly Ala Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10219

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10219

Ala Gln Lys Val Pro Thr Gln Thr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 10220

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10220

Ala Gln Ile Ser Thr Met Lys Pro Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10221

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10221

Ala Gln Ser Arg Val Val Glu Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10222

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10222

Ala Gln Val Leu Ser Arg Gln Ser Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 10223

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10223

Ala Gln Val Val Thr Thr Ser Ser Met Ala Gln

1 5 10

<210> 10224

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10224

Ala Gln Ser Thr Gly Ser Ser Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 10225

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10225

Ala Gln Pro Asn Arg Ala Ala Asn Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 10226

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10226

Ala Gln Tyr Pro Val Asn Ser Gln Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10227

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10227

Ala Gln Lys Ser Ala Ser Pro Tyr Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 10228

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10228

Ala Gln Ser Lys Ser Trp Gly Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10229

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10229

Ala Gln Ser Ala Met Leu Lys Val Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 10230

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10230

Ala Gln Arg Ser Gln Thr Ile Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10231

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10231

Ala Gln Pro Ser Ser Arg Leu Gly Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 10232

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10232

Ala Gln Ile Gly Pro Arg Gly Thr Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 10233

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10233

Ala Gln Ala Ser Lys Gly Gln Tyr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 10234

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10234

Ala Gln Val Arg Thr Leu Thr Val Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 10235

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10235

Ala Gln Arg Gly Asn Ala Ala Asn Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 10236

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10236

Ala Gln Phe Gly Ser His Pro Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 10237

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10237

Ala Gln Gly His Pro Thr Pro Val Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 10238

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10238

Ala Gln Ser Leu Asn Pro Val Arg Met Ala Gln

1 5 10

<210> 10239

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10239

Ala Gln Ser Ile Arg Gly Gln Pro Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 10240

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10240

Ala Gln Thr Ala Lys Phe Asn Gln Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 10241

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10241

Ala Gln Leu Ile Ser Thr His Asp Met Ala Gln

1 5 10

<210> 10242

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10242

Ala Gln Gln Ser Arg Asp Asn Ile Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 10243

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10243

Ala Gln Asn Asn Gly Asn Lys Gly Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 10244

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10244

Ala Gln Asn Val Asn Tyr Asp Gly Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 10245

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10245

Ala Gln Phe Met Lys Gly Ala Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10246

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10246

Ala Gln Leu Ala Thr Ser Thr Gln Met Ala Gln

1 5 10

<210> 10247

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10247

Ala Gln Val His Gly Gly Tyr Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 10248

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10248

Ala Gln Arg Gly Ser Glu Pro Met Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 10249

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10249

Ala Gln Gly Leu Arg Thr Ser Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 10250

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10250

Ala Gln Leu Tyr Lys Gly Gly Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 10251

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10251

Ala Gln Met Lys Thr His Ser Pro Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 10252

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10252

Thr Leu Gln Ile Pro Phe Lys

1 5

<210> 10253

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10253

Thr Ala Leu Lys Pro Phe Leu

1 5

<210> 10254

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10254

Thr Thr Leu Lys Pro Phe Leu

1 5

<210> 10255

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10255

Ser Ile Glu Arg Pro Phe Lys

1 5

<210> 10256

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10256

Thr Gln Asn Arg Pro Phe Leu

1 5

<210> 10257

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10257

Thr Met Gln Lys Pro Phe Ile

1 5

<210> 10258

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10258

Thr Ser Thr Arg Pro Phe Leu

1 5

<210> 10259

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10259

Gly Thr Phe Val Pro Pro Thr

1 5

<210> 10260

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10260

Trp Ser Thr Asn Ala Gly Tyr

1 5

<210> 10261

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10261

Thr Leu Glu Arg Pro Phe Thr

1 5

<210> 10262

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10262

Thr Ala Ala Lys Pro Phe Leu

1 5

<210> 10263

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10263

Ile Arg Ile Gly Tyr Ser Gln

1 5

<210> 10264

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10264

Glu Arg Val Gly Phe Ala Gln

1 5

<210> 10265

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10265

Ala Asp Leu Leu Asn Tyr Arg

1 5

<210> 10266

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10266

Leu Val Ala Gly Phe Ser Gln

1 5

<210> 10267

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10267

Ser Ser Leu Lys Pro Phe Leu

1 5

<210> 10268

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10268

Thr His Ser Arg Pro Phe Ile

1 5

<210> 10269

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10269

Pro Phe Pro Gly Tyr Ser Ala

1 5

<210> 10270

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10270

Ile Ile Val Gly Tyr Ser Gln

1 5

<210> 10271

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10271

Arg Tyr Gln Gly Asp Ser Val

1 5

<210> 10272

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10272

Arg Tyr Ala Gly Asp Ser Ile

1 5

<210> 10273

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10273

Lys Thr Ile Gly Glu His Trp

1 5

<210> 10274

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10274

Trp Met Thr His Gly Ser Ala

1 5

<210> 10275

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10275

Ala Ala Ser Arg Pro Phe Leu

1 5

<210> 10276

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10276

Thr Thr Ser Arg Pro Phe Leu

1 5

<210> 10277

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10277

Ala Arg Val Gly Leu Ala Gln

1 5

<210> 10278

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10278

Gly Thr Ser Pro Asn Leu Ala

1 5

<210> 10279

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10279

Val Arg Thr Gly Tyr Ser Ser

1 5

<210> 10280

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10280

Ile Arg Val Gly Tyr Ser Ser

1 5

<210> 10281

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10281

Thr Thr Leu Arg Pro Phe Ile

1 5

<210> 10282

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10282

Gly Ile Thr Ser Leu Phe Lys

1 5

<210> 10283

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10283

Thr Thr Gln Thr Pro Phe Arg

1 5

<210> 10284

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10284

Thr Val Ser Arg Pro Phe Leu

1 5

<210> 10285

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10285

Tyr Gly Thr Asn Pro Phe Arg

1 5

<210> 10286

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10286

Pro Thr Met Val Asp Ser Ser

1 5

<210> 10287

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10287

Asn Lys Ala Ser Ser Gln Asn

1 5

<210> 10288

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10288

Thr Phe Arg Ser Ser Asn Asp

1 5

<210> 10289

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10289

Leu Pro Asp Arg Tyr Pro Asn

1 5

<210> 10290

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10290

Gln Asn Val Thr Lys Gly Val

1 5

<210> 10291

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10291

Ala Gln Ser Pro Ile Leu Arg

1 5

<210> 10292

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10292

Val Ala Thr Gly Tyr Ser Ser

1 5

<210> 10293

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10293

Leu Asn Ser Asn Arg Pro Asn

1 5

<210> 10294

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10294

Thr Ile Arg Asn Asn Thr Ile

1 5

<210> 10295

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10295

Asp Leu Ser Arg Ile Phe Lys

1 5

<210> 10296

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10296

Leu Ser Asn Ser Ala Ser Gln

1 5

<210> 10297

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10297

Leu Glu Asn Met Val Met Ser

1 5

<210> 10298

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10298

Leu Thr Gln Gln Thr Asp Val

1 5

<210> 10299

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10299

Ala Gly Leu Ala His Ala Thr

1 5

<210> 10300

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10300

Asn Ala His Thr Ala Leu Asp

1 5

<210> 10301

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10301

Trp Pro Ile Leu Arg Ala Asp

1 5

<210> 10302

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10302

Ala Leu Ala Gly Leu Ser Leu

1 5

<210> 10303

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10303

Arg Ile Asp Met Pro Phe Lys

1 5

<210> 10304

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10304

Thr Met Ser Leu Ser Ser Ser

1 5

<210> 10305

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10305

Gln Asn Val Ala Lys Asn Leu

1 5

<210> 10306

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10306

Phe Asp Asn Pro Asn Asn Val

1 5

<210> 10307

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10307

Val Leu Met Arg Glu Ser Leu

1 5

<210> 10308

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10308

His His Asp Thr Gly Ser Ala

1 5

<210> 10309

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10309

Asp Ala Pro Asn Ser Val Asp

1 5

<210> 10310

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10310

Thr Ala Ser Arg Asp Ala Lys

1 5

<210> 10311

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10311

Thr Asn Tyr Thr Lys Gln Ile

1 5

<210> 10312

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10312

Pro His Asn Ala Ser Val Leu

1 5

<210> 10313

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10313

Thr Asn Asn Thr Arg Asn Ile

1 5

<210> 10314

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10314

Met Val Pro Asn His Ser Gly

1 5

<210> 10315

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10315

Pro Val Pro Gln Ser Glu His

1 5

<210> 10316

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10316

Leu Tyr His Gly Gly Ser Thr

1 5

<210> 10317

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10317

Met Ile His Thr Arg Glu Thr

1 5

<210> 10318

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10318

Thr Asn Asn Thr Lys Pro Leu

1 5

<210> 10319

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10319

Leu Asn Thr Thr Arg Asn Thr

1 5

<210> 10320

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10320

Ala Leu His Asn Ser Gln Asn

1 5

<210> 10321

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10321

Val Asn Ser Thr Arg Asn Val

1 5

<210> 10322

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10322

Gly Val Gly Val Val Thr Lys

1 5

<210> 10323

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10323

Val Leu Ser Lys Gln Leu Ala

1 5

<210> 10324

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10324

Ser Lys Ser Leu Gln Pro Leu

1 5

<210> 10325

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10325

Ser Asn Ser Thr Arg Leu Val

1 5

<210> 10326

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10326

Leu Asn Gln Thr Lys Gln Ile

1 5

<210> 10327

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10327

Asn Asn Ser Val Arg Gln Leu

1 5

<210> 10328

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10328

Met Ser Gly Tyr Ser His Thr

1 5

<210> 10329

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10329

Val Lys Val Pro Ile Ile Thr

1 5

<210> 10330

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10330

Gly Asn Asn Thr Arg Ala Val

1 5

<210> 10331

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10331

Gln Asn Gln Ile Lys Asn Ile

1 5

<210> 10332

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10332

Thr Asn Met Thr Lys Pro Leu

1 5

<210> 10333

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10333

Asn Asn Ser Thr Arg Leu Ser

1 5

<210> 10334

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10334

Ser Met Leu Thr Ser Ile Val

1 5

<210> 10335

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10335

Leu Asn Ala Thr Ala Ser Arg

1 5

<210> 10336

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10336

Asn Thr Gly Val Gln Val Arg

1 5

<210> 10337

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10337

Thr Asn Thr Val Arg Pro Ile

1 5

<210> 10338

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10338

Gln Ser Thr Pro Gly Ala Thr

1 5

<210> 10339

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10339

Gly His Ser Glu Asn Ser Arg

1 5

<210> 10340

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10340

Leu Pro Thr Gln Thr Leu Arg

1 5

<210> 10341

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10341

Lys Asn Ala Pro Met Pro Asp

1 5

<210> 10342

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10342

Ser Asn Ser Thr Lys Pro Thr

1 5

<210> 10343

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10343

Pro Ile Ile Thr Met Pro Ala

1 5

<210> 10344

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10344

Pro Leu Lys Gly Ile Gly Ser

1 5

<210> 10345

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10345

Val Leu Ser Val Asn His Leu

1 5

<210> 10346

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10346

Ser Val Ala Ala Val His Met

1 5

<210> 10347

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10347

Ser Asn Ser Ile Arg Leu Val

1 5

<210> 10348

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10348

His Asn Asp Thr Arg Pro Leu

1 5

<210> 10349

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10349

Pro Pro Val Arg Ser Thr Ala

1 5

<210> 10350

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10350

Met Asn Thr Val Arg Asn Leu

1 5

<210> 10351

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10351

Leu Thr Asp Gly His Arg Ile

1 5

<210> 10352

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10352

Thr Asn Ala Val Lys Leu Thr

1 5

<210> 10353

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10353

Arg Val Asp Ala Val Leu Ser

1 5

<210> 10354

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10354

Thr Asn Ala Val Lys Ser Thr

1 5

<210> 10355

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10355

Met Leu Asn Thr Thr Ala Arg

1 5

<210> 10356

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10356

Gly Asn Asn Thr Arg Pro Thr

1 5

<210> 10357

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10357

Gln Ser Gly Gly Ser Ala Leu

1 5

<210> 10358

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10358

Val Ile Ala Leu Ser Thr Met

1 5

<210> 10359

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10359

Leu Asn Thr Ile Arg Asn Val

1 5

<210> 10360

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10360

Ser Asn Ala Thr Arg Ser Val

1 5

<210> 10361

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10361

Gly Asn Gly Thr Lys Phe Ile

1 5

<210> 10362

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10362

Ser Asn Thr Ile Arg Pro Val

1 5

<210> 10363

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10363

Ser Asn Ser Thr Arg Ala Ile

1 5

<210> 10364

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10364

Phe His Leu Thr Asp Arg Gly

1 5

<210> 10365

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10365

Pro Ile Arg Ser Asp Thr Val

1 5

<210> 10366

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10366

Ala Asn Gln Ile His Asn Thr

1 5

<210> 10367

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10367

Ser Asn Thr Val Arg Asn Thr

1 5

<210> 10368

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10368

Thr Ser Leu Gly Tyr Ser Ser

1 5

<210> 10369

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10369

Ile Ser Gly Val Gln Thr Arg

1 5

<210> 10370

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10370

Ser Asn Ala Val Arg Gln Thr

1 5

<210> 10371

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10371

Ser Leu Ser Glu Leu Arg Ile

1 5

<210> 10372

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10372

Ser Thr Glu Lys Arg Asp Glu

1 5

<210> 10373

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10373

Asn Leu Val Gly Thr Leu Ile

1 5

<210> 10374

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10374

Gly Asn Asn Ile Arg Leu Thr

1 5

<210> 10375

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10375

Ala Val Pro Thr Gly Leu Arg

1 5

<210> 10376

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10376

Gly Asp Asn Ser Leu Thr Arg

1 5

<210> 10377

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10377

His Ala Asp Asn Arg Leu Lys

1 5

<210> 10378

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10378

Ser Asn Ala Thr Arg Asn Phe

1 5

<210> 10379

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10379

Gly Asn Thr Thr Arg Gly Leu

1 5

<210> 10380

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10380

Leu Asn Leu Thr Ala Thr Asn

1 5

<210> 10381

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10381

Ser Gly Val Ser Thr Thr Asp

1 5

<210> 10382

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10382

Tyr Ala Lys Thr Leu Ala Met

1 5

<210> 10383

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10383

Met Asn His Thr Lys Pro Thr

1 5

<210> 10384

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10384

Ala Asn Ala Thr Arg Asn Ser

1 5

<210> 10385

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10385

Gln Asn Gln Thr Lys Ile Thr

1 5

<210> 10386

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10386

Ser Asn Ala Ile Lys Ala Thr

1 5

<210> 10387

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10387

Tyr Pro Asp Asn Tyr Gly Lys

1 5

<210> 10388

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10388

Gly Asn Thr Thr Ile Arg Ser

1 5

<210> 10389

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10389

Leu Gly Leu Thr Gly Ala Val

1 5

<210> 10390

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10390

Ala Asn Ser Thr Arg Ile Leu

1 5

<210> 10391

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10391

Asp Asn Ala Ile Arg Ala Gln

1 5

<210> 10392

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10392

Thr Asn Tyr Thr Lys Leu Met

1 5

<210> 10393

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10393

His Asn Ser Pro Ser Ser Tyr

1 5

<210> 10394

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10394

Glu Asn Met Val Arg Ser Val

1 5

<210> 10395

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10395

Thr Asn Asn Ile Lys Ser Tyr

1 5

<210> 10396

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10396

Thr Asn Ser Thr Arg Pro Val

1 5

<210> 10397

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10397

His Thr Ala Pro Pro His Pro

1 5

<210> 10398

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10398

Ala Leu Ser Gln Asn Thr Ser

1 5

<210> 10399

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10399

Pro Asn Val Thr Lys Asn Ala

1 5

<210> 10400

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10400

Leu Asp Thr Leu Thr Gly Tyr

1 5

<210> 10401

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10401

Pro Asn Ser Val Arg Ser Val

1 5

<210> 10402

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10402

Thr Ser Ser His Leu Pro His

1 5

<210> 10403

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10403

Val Leu His Gly Gly Asn Asp

1 5

<210> 10404

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10404

Ser Asn Tyr Val Lys Ser Ala

1 5

<210> 10405

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10405

Asp Asn Asn Ser Thr Arg Trp

1 5

<210> 10406

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10406

Thr Val Met Lys Gly Phe Thr

1 5

<210> 10407

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10407

Ser His Thr Leu Ser Thr Leu

1 5

<210> 10408

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10408

Pro Gly Pro Gln Gln Ala Lys

1 5

<210> 10409

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10409

Thr Phe Gly Thr Ser Lys Leu

1 5

<210> 10410

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10410

Ser Asn Ala Val Thr Asn Arg

1 5

<210> 10411

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10411

Leu Ser Met Ser Thr Val Pro

1 5

<210> 10412

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10412

Arg Arg Tyr Asp Gly Arg Glu

1 5

<210> 10413

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10413

Thr Asn Ser Thr Lys Asn Ile

1 5

<210> 10414

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10414

Ile Asn Ala Gln Trp Ser Ala

1 5

<210> 10415

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10415

Ala Gln Thr Ser Asn Asp Pro

1 5

<210> 10416

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10416

Thr Asn Glu Thr Arg Met Val

1 5

<210> 10417

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10417

Ala Asn Ala Thr Arg Gly Val

1 5

<210> 10418

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10418

Ala Asp Val Asn Ala Ser Gly

1 5

<210> 10419

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10419

Leu Ser Glu Arg Asn Tyr Val

1 5

<210> 10420

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10420

Ser Gly Glu Leu Ala Arg Ala

1 5

<210> 10421

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10421

Gly Asn Thr Ala Lys Asn Ile

1 5

<210> 10422

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10422

Asp Asn Ala Val Arg Pro Leu

1 5

<210> 10423

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10423

Met Met Leu Ser Gly Leu Asn

1 5

<210> 10424

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10424

Pro Asn Thr Ile Arg Asn Val

1 5

<210> 10425

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10425

Glu Asn Leu Thr Arg Gly Val

1 5

<210> 10426

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10426

Phe Ser Ala Arg Ser Thr Gly

1 5

<210> 10427

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10427

Glu Asn Ala Thr Arg Thr Tyr

1 5

<210> 10428

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10428

Gly Asn Ser Thr Arg Met Asn

1 5

<210> 10429

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10429

Gly Asn Ser Thr Lys Ser Pro

1 5

<210> 10430

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10430

Met Gln Thr Thr Leu His Leu

1 5

<210> 10431

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10431

Asn Pro Thr Leu Ile Thr Leu

1 5

<210> 10432

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10432

Leu Ile Ser Gly His Ala Gln

1 5

<210> 10433

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10433

Phe Asn Gln Val Arg Ser Leu

1 5

<210> 10434

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10434

Met Asn Ile Leu Arg Glu Val

1 5

<210> 10435

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10435

Ser Ala Met Met Arg Gly Val

1 5

<210> 10436

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10436

Pro Met Leu Ser Ser Pro Ser

1 5

<210> 10437

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10437

Gln Asn Asn Thr Leu Arg Ser

1 5

<210> 10438

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10438

Arg His Ser Asp Pro Val Glu

1 5

<210> 10439

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10439

Val Asn Thr Thr Phe Ser Thr

1 5

<210> 10440

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10440

Ile Asn Ser Thr Arg Gly Ile

1 5

<210> 10441

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10441

Thr Asn Ala Val Arg Asp Leu

1 5

<210> 10442

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10442

Ser Asn Ser Thr Arg Leu Ser

1 5

<210> 10443

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10443

Thr Ser Ile Ala Gly Ser Phe

1 5

<210> 10444

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10444

Leu Gly Ser Thr Tyr Pro Arg

1 5

<210> 10445

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10445

Ala Asn Val Thr Thr Gln Arg

1 5

<210> 10446

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10446

Ser Asn Ser Val Arg Leu Ser

1 5

<210> 10447

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10447

Ala Thr Asn Glu Pro Asp Arg

1 5

<210> 10448

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10448

Arg Met Asn Pro Glu Gln Ser

1 5

<210> 10449

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10449

Ser Val Ser Gly Ser Ala Asn

1 5

<210> 10450

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10450

Pro Ser Asn Ser Thr Thr Arg

1 5

<210> 10451

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10451

Leu Phe His Gly Thr His Glu

1 5

<210> 10452

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10452

Pro Gln Leu Gly Ser Thr Lys

1 5

<210> 10453

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10453

Pro Ile Ser Ala Asn Arg Leu

1 5

<210> 10454

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10454

Asn Ser Gly Asn Leu Ser Met

1 5

<210> 10455

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10455

Lys Val Glu Ala Ile Gly Met

1 5

<210> 10456

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10456

Lys Thr Leu Leu Asn Ser Val

1 5

<210> 10457

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10457

Asn Ala Met Asp Leu Lys Val

1 5

<210> 10458

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10458

Met Met Gly Asn Gly Ser Ser

1 5

<210> 10459

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10459

Ser Asn Ser Thr Lys Ala Leu

1 5

<210> 10460

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10460

Ser Asn Ser Thr Arg Gly Thr

1 5

<210> 10461

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10461

Ser Leu Ser Ser Leu His Val

1 5

<210> 10462

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10462

Thr Leu Ser Gly Ala Leu Thr

1 5

<210> 10463

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10463

Pro Asn Thr Val Arg Asn Asn

1 5

<210> 10464

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10464

Asn Asn Asn Val Lys Met Thr

1 5

<210> 10465

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10465

Ser Val Ala Lys Pro Phe Met

1 5

<210> 10466

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10466

Thr Gln Thr Thr Arg Leu Ser

1 5

<210> 10467

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10467

Asn Asn Ala Thr Arg Gly Gly

1 5

<210> 10468

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10468

Thr Asn Thr Thr Ala Arg Ile

1 5

<210> 10469

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10469

Glu Asn Ser Ile Arg Thr Ile

1 5

<210> 10470

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10470

Ile Arg Glu Thr Ser Gly Lys

1 5

<210> 10471

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10471

Ser Ile Tyr Tyr His Thr Glu

1 5

<210> 10472

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10472

Val Leu Asp Asn Ser Gly Gln

1 5

<210> 10473

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10473

Ser His Asn Met Thr Ile Arg

1 5

<210> 10474

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10474

Thr Ile Pro Ser Ala Gly Lys

1 5

<210> 10475

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10475

Pro Arg His Thr Leu Ser Gln

1 5

<210> 10476

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10476

Ser Leu Asn Val Gln Asp Val

1 5

<210> 10477

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10477

Tyr Gln Ser Leu Ala Asn Pro

1 5

<210> 10478

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10478

Ile Leu Asn Met Ser Thr Asp

1 5

<210> 10479

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10479

Val Leu His Leu Gly His Ser

1 5

<210> 10480

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10480

Gly Val Thr Gln Thr Pro Arg

1 5

<210> 10481

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10481

Thr Asn Asp Thr Arg Arg Ile

1 5

<210> 10482

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10482

Gln Thr Asp His Thr Ser Arg

1 5

<210> 10483

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10483

Lys Asn Glu Ile Lys Asn Val

1 5

<210> 10484

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10484

Trp Thr Gly Asn Glu Arg Leu

1 5

<210> 10485

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10485

Gly Lys Ser Asp Ala Met Arg

1 5

<210> 10486

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10486

Gly Asn Ala Thr Arg Thr Tyr

1 5

<210> 10487

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10487

Ala Ser Asn Leu Gly Leu Pro

1 5

<210> 10488

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10488

Ser Ser Leu Ser Gly Ser Pro

1 5

<210> 10489

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10489

Ala Ala Val Asn Gln Gly Val

1 5

<210> 10490

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10490

Asp Gln Asn Gln Pro Arg Glu

1 5

<210> 10491

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10491

Leu Thr Gln Asp Lys Gln Ala

1 5

<210> 10492

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10492

Phe Gly Ser Asn Glu His Asn

1 5

<210> 10493

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10493

Leu Asn Gln Pro Asn Val Arg

1 5

<210> 10494

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10494

Met Asn Thr Thr Arg Asn Leu

1 5

<210> 10495

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10495

Thr Asn Ser Thr Arg Thr Ser

1 5

<210> 10496

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10496

Phe Glu Leu Ser His Val Pro

1 5

<210> 10497

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10497

Glu Gly Leu Gly Asn Ala Ala

1 5

<210> 10498

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10498

Leu Thr Val Thr Leu Asn His

1 5

<210> 10499

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10499

Phe Gly Asn Ala Ile Gln Ser

1 5

<210> 10500

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10500

Pro Gly Gly Gly Leu Thr Pro

1 5

<210> 10501

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10501

Pro Asn Met Thr Arg Ser Leu

1 5

<210> 10502

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10502

Ser Gln Leu His Arg Leu Gln

1 5

<210> 10503

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10503

Asn Asp Pro Val Leu Thr Val

1 5

<210> 10504

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10504

Glu Asn Ser Val Arg Thr Thr

1 5

<210> 10505

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10505

Asp Arg Val Thr Asn Pro Lys

1 5

<210> 10506

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10506

Leu Asn Thr Gly Gln Met Arg

1 5

<210> 10507

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10507

Ile Ser Pro Ser Gln Val Lys

1 5

<210> 10508

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10508

Tyr Ser Ala Asp Lys Thr Thr

1 5

<210> 10509

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10509

Ile Asp Ser Ala Gly Met Ala

1 5

<210> 10510

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10510

Ser Asn Asn Ile Lys Leu Asn

1 5

<210> 10511

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10511

Leu Glu Thr Gln Pro Arg Thr

1 5

<210> 10512

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10512

Asn Leu His Ser Asn Val Leu

1 5

<210> 10513

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10513

Met Val Lys Asp Thr Gln Leu

1 5

<210> 10514

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10514

Leu Met His Leu Thr Asn Pro

1 5

<210> 10515

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10515

Val Ala Ser Pro Asp Lys Arg

1 5

<210> 10516

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10516

Val Val Ala Val Leu Thr Ser

1 5

<210> 10517

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10517

Asn Ile Met Val Asn Val Pro

1 5

<210> 10518

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10518

Pro Tyr Ser Gly Gln Arg Thr

1 5

<210> 10519

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10519

Pro Leu Leu Lys Thr Asn Thr

1 5

<210> 10520

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10520

Gly Asn Thr Thr Val Arg Gly

1 5

<210> 10521

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10521

Thr Asn Lys Val Arg Asp Asp

1 5

<210> 10522

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10522

Pro Ser Thr Ala Leu Leu Val

1 5

<210> 10523

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10523

Ile Gln Ser Ile Thr Leu Lys

1 5

<210> 10524

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10524

Pro Leu His Ala Asn Met Ser

1 5

<210> 10525

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10525

Thr Ala His Ala Glu Ala Arg

1 5

<210> 10526

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10526

Thr Asn Thr Asp Ser Tyr Arg

1 5

<210> 10527

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10527

Thr His Val Ser Leu Asp Arg

1 5

<210> 10528

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10528

Phe Ser Thr Lys Asp His Val

1 5

<210> 10529

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10529

Asp Asn Thr Gln Thr Ala Pro

1 5

<210> 10530

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10530

Ser Asn Arg Ile Ile Ser Gly

1 5

<210> 10531

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10531

Thr Asn Ser Val Arg Asn Asn

1 5

<210> 10532

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10532

Ser Asn Glu Val Arg Asn Met

1 5

<210> 10533

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10533

Glu Leu Tyr Lys Pro Ser Arg

1 5

<210> 10534

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10534

Trp Ile Thr Gly Gly Ala Ser

1 5

<210> 10535

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10535

Asn Asn Ser Val Arg Pro Thr

1 5

<210> 10536

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10536

His Thr Ala Val Leu Arg Thr

1 5

<210> 10537

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10537

Asn Thr Leu Ser Leu Ala Pro

1 5

<210> 10538

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10538

Pro Asn Ala Ser Val Asn Ser

1 5

<210> 10539

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10539

Val Thr Gly Gly Asn Thr Tyr

1 5

<210> 10540

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10540

Val Asn Glu Asn Leu Ile Glu

1 5

<210> 10541

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10541

Val Leu Thr Thr His Ser Asn

1 5

<210> 10542

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10542

His Thr Gln Leu Pro Leu Thr

1 5

<210> 10543

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10543

Arg Gln Ser Leu Glu Ala Leu

1 5

<210> 10544

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10544

Pro Asp Val Thr Glu Gly Arg

1 5

<210> 10545

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10545

Pro Thr Asn Ile Met Leu Asp

1 5

<210> 10546

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10546

Pro Asn Met Ser Ala Met Ile

1 5

<210> 10547

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10547

Ile Met Asn Gly Gln Ala Leu

1 5

<210> 10548

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10548

Asn Asn Asn Ser Thr Arg Phe

1 5

<210> 10549

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10549

Ala Asn Val Thr Arg Ser Thr

1 5

<210> 10550

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10550

Gln Asn Leu Gly Leu Asn Val

1 5

<210> 10551

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10551

Gln Ala Gln Met Ser Ser Ala

1 5

<210> 10552

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10552

Leu Thr Met Ala Thr Asn Val

1 5

<210> 10553

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10553

Asp Arg Asp Ser Val Gln Asn

1 5

<210> 10554

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10554

Val Asn Pro Thr Asn Asn Leu

1 5

<210> 10555

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10555

Pro Ser Phe Thr Thr Met Ser

1 5

<210> 10556

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10556

Arg Glu Thr Pro Ile Pro Lys

1 5

<210> 10557

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10557

Ser Leu Asn Phe Thr Thr Ala

1 5

<210> 10558

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10558

Gly Met Ser Gly Val Ala Gln

1 5

<210> 10559

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10559

Lys Val Asp Ala Ala Gln Ser

1 5

<210> 10560

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10560

His Ile Thr Thr Asn Val Ser

1 5

<210> 10561

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10561

Glu Arg Glu Ser Ala Arg Leu

1 5

<210> 10562

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10562

Asp Asn Arg Thr Gln Arg Thr

1 5

<210> 10563

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10563

Ser Ala Pro Asn Val Thr Ile

1 5

<210> 10564

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10564

Glu Asn Gly Thr Arg Asn Thr

1 5

<210> 10565

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10565

Gly Thr Ala Val Phe Thr Ala

1 5

<210> 10566

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10566

Ala Asn Asn Met Ser Gln Thr

1 5

<210> 10567

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10567

Gly Asn His Thr Tyr Asn Leu

1 5

<210> 10568

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10568

Leu Ser Pro Ser Asn Ser Asn

1 5

<210> 10569

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10569

Met Gly Ala Asp His Arg Thr

1 5

<210> 10570

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10570

Ser Asn Ser Thr Arg Gly Ser

1 5

<210> 10571

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10571

Asn Thr Ser Gly Val Pro Lys

1 5

<210> 10572

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10572

Ile Asn Thr Ala Val Val Ser

1 5

<210> 10573

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10573

Met Gly Val Gln Ala Tyr Val

1 5

<210> 10574

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10574

Gly Asn Phe Val Lys Pro Asn

1 5

<210> 10575

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10575

Val Asn Ser Val Arg Met Ile

1 5

<210> 10576

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10576

His Asp Ser Ala Asn Ser Arg

1 5

<210> 10577

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10577

Leu Gly Val Arg Asp Asp Ser

1 5

<210> 10578

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10578

Ser Asn Ala Val Arg Ala Asn

1 5

<210> 10579

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10579

Pro Val Leu Ala Ala Thr Met

1 5

<210> 10580

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10580

Asn Lys Pro Val Ser Gly Asn

1 5

<210> 10581

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10581

Val Gly Leu Ala Ser His Thr

1 5

<210> 10582

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10582

Gly Ser Asn Thr Asn Met Lys

1 5

<210> 10583

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10583

Val Ala Thr Thr Val His Asn

1 5

<210> 10584

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10584

Asn Thr Leu Asp Ser Arg Val

1 5

<210> 10585

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10585

Arg Glu Ala Asn Leu Gln Ala

1 5

<210> 10586

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10586

Val Asp Ala Leu Ser His Met

1 5

<210> 10587

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10587

Leu Arg Leu Ala Gly Leu Ala

1 5

<210> 10588

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10588

Ile Thr Val Thr Asn Tyr Ser

1 5

<210> 10589

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10589

Trp Asp Ser Gly Ser Gly Glu

1 5

<210> 10590

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10590

Phe Ala Ser Glu Thr Val Ala

1 5

<210> 10591

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10591

Gln Asn Val Thr Gly Thr Arg

1 5

<210> 10592

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10592

Leu Asn Gly Leu Asn Val Ser

1 5

<210> 10593

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10593

Asn Met Leu Lys Gln Ser Glu

1 5

<210> 10594

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10594

Phe Asn Glu Val Pro Lys Ala

1 5

<210> 10595

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10595

Leu Gly Asp Ile Thr Gly Phe

1 5

<210> 10596

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10596

Ile Ser Ala Ser His Ser Arg

1 5

<210> 10597

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10597

Ser Gln Thr Gln Ile Ala Leu

1 5

<210> 10598

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10598

Asn Met Ala Thr Gln Met Lys

1 5

<210> 10599

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10599

Val Asn His Asn Ile Arg Leu

1 5

<210> 10600

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10600

Asn Ala Leu Gln Val Pro Val

1 5

<210> 10601

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10601

Asn Ser Thr Gly Ile Asp Thr

1 5

<210> 10602

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10602

Val Val Ala Gly His Leu Asn

1 5

<210> 10603

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10603

Arg Asn Asp Ala Ile Leu Asn

1 5

<210> 10604

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10604

Asn Arg Val Asp Ser Arg Ala

1 5

<210> 10605

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10605

Ser Thr His Ser Thr Tyr Val

1 5

<210> 10606

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10606

Ser Gly His Gly Thr Leu Arg

1 5

<210> 10607

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10607

Pro Asn Ser Thr Thr Leu Ser

1 5

<210> 10608

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10608

Asp Thr Lys Pro Thr Asn Thr

1 5

<210> 10609

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10609

Asn Arg Asp Thr Ile Asn Asn

1 5

<210> 10610

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10610

Pro Arg Thr Leu Ser Asp Gly

1 5

<210> 10611

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10611

Thr Lys Asp Val Thr Thr Ser

1 5

<210> 10612

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10612

Leu Gly Asn Pro Thr Pro Ser

1 5

<210> 10613

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10613

Tyr Gln Ala Met Tyr Arg Asp

1 5

<210> 10614

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10614

Ser Gly Val Gln Glu Phe Asp

1 5

<210> 10615

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10615

Ser Asn His Leu Ser Thr Val

1 5

<210> 10616

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10616

His Asp Glu Arg Ala Asn Met

1 5

<210> 10617

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10617

Thr Asn Ser Thr Arg Ser Pro

1 5

<210> 10618

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10618

Pro Thr Asp Lys Ser Tyr Pro

1 5

<210> 10619

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10619

Met Thr Glu Gln Arg Thr Ala

1 5

<210> 10620

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10620

Thr Asn Ala Thr His Ser Lys

1 5

<210> 10621

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10621

Asn Arg Gly Thr Phe Ser Ala

1 5

<210> 10622

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10622

Asn Thr Thr Lys Phe Asn Thr

1 5

<210> 10623

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10623

Gly Ile Pro Pro Leu Thr Lys

1 5

<210> 10624

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10624

Thr Ala Asn Ser Thr Gln Arg

1 5

<210> 10625

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10625

Thr Gln Gly Pro Gly Pro Lys

1 5

<210> 10626

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10626

Met Asn Thr Thr Arg Asn Tyr

1 5

<210> 10627

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10627

Leu Arg Glu Gly Thr Phe Met

1 5

<210> 10628

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10628

Asn Ile Ser Ser Thr Asp Arg

1 5

<210> 10629

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10629

Ser Val Ser Arg Pro Phe Gln

1 5

<210> 10630

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10630

Pro Met Ser Ala Asn Gly Lys

1 5

<210> 10631

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10631

Glu Val Arg Gly Asn Thr Phe

1 5

<210> 10632

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10632

Ser Gln Lys Gly Leu Ser Val

1 5

<210> 10633

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10633

Ile Ala Glu Asn Leu Ser Ala

1 5

<210> 10634

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10634

Phe Ser Asn Met Asn Leu Lys

1 5

<210> 10635

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10635

Pro Arg Glu Arg Thr Tyr Thr

1 5

<210> 10636

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10636

Trp Ser His Asn Pro Asp Ser

1 5

<210> 10637

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10637

Gly Leu Gln Thr Leu Ile Thr

1 5

<210> 10638

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10638

Ser Asn Arg Thr Lys Asp Ile

1 5

<210> 10639

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10639

Val Thr Glu Thr Ile Leu Lys

1 5

<210> 10640

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10640

Tyr Val Thr Arg Ser Gly Leu

1 5

<210> 10641

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10641

Met Asn Ala Asn Ile Leu Val

1 5

<210> 10642

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10642

Thr Thr Asn Arg Val Gly Thr

1 5

<210> 10643

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10643

Val Leu Lys Ser His Leu Gln

1 5

<210> 10644

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10644

Ser Asp Gly Leu Arg Thr Gln

1 5

<210> 10645

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10645

Leu Asn Ser Val Lys Pro Asn

1 5

<210> 10646

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10646

Ser Gln Ala Ile Ala Pro Lys

1 5

<210> 10647

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10647

Ser Asn Asn Val Arg Ala Pro

1 5

<210> 10648

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10648

Ile Ser His Leu Ser Glu Ser

1 5

<210> 10649

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10649

Leu Leu Pro Gly Met Arg Phe

1 5

<210> 10650

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10650

Leu Leu Ala Ser Ala Thr Lys

1 5

<210> 10651

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10651

Asn His Asn Gly Met Val Ser

1 5

<210> 10652

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10652

His Ser Gly Glu Leu Asn Asn

1 5

<210> 10653

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10653

Leu Ser Ala Pro Lys Asp Thr

1 5

<210> 10654

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10654

Ile Gly Thr His Val Gly Thr

1 5

<210> 10655

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10655

Ala Val Ala Leu Ala Ser Ala

1 5

<210> 10656

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10656

Ile Thr Leu Gln Ser Asn Ala

1 5

<210> 10657

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10657

Val Asp His Ser Leu Thr Ser

1 5

<210> 10658

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10658

Gly Asn Glu Ala Thr Ser Leu

1 5

<210> 10659

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10659

Pro Val Ser Ser Thr Thr Leu

1 5

<210> 10660

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10660

Pro Tyr Gln Thr Ser Ser Ala

1 5

<210> 10661

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10661

Thr Ser Val Val Ser Ala Phe

1 5

<210> 10662

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10662

Asn Gly Val Pro Asp Asn Asn

1 5

<210> 10663

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10663

Ser Thr Gln Thr Ile Gly Phe

1 5

<210> 10664

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10664

Ile Arg Ser Ser Asp Leu Ala

1 5

<210> 10665

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10665

Asn Thr Gln Ser Ala Lys Tyr

1 5

<210> 10666

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10666

Ser Leu Glu Ser Ser Arg Gln

1 5

<210> 10667

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10667

Leu Asn Leu Ala Ser Gly Arg

1 5

<210> 10668

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10668

Met Gln Glu Arg Arg Glu Tyr

1 5

<210> 10669

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10669

Trp Leu Leu Lys Asp Gly Tyr

1 5

<210> 10670

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10670

Gly Arg Tyr Gln Thr Thr Ser

1 5

<210> 10671

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10671

Asn Thr Thr Lys Phe Pro Phe

1 5

<210> 10672

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10672

Met Ser Asn Gly Ile Ser Arg

1 5

<210> 10673

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10673

Pro Ile Arg Asp Pro Glu Lys

1 5

<210> 10674

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10674

Ser Thr Leu Ser Pro His Val

1 5

<210> 10675

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10675

Phe Met Pro Ile Ser Ser Ala

1 5

<210> 10676

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10676

Arg Ser Asp Thr Gln Ser Ser

1 5

<210> 10677

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10677

Asp Asn His Val Met Ala Arg

1 5

<210> 10678

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10678

Asn Leu Ser Ser Lys Ser Trp

1 5

<210> 10679

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10679

Ser Thr Ile Leu Lys Asp Thr

1 5

<210> 10680

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10680

Pro Thr His Gln Ser Lys Pro

1 5

<210> 10681

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10681

Thr Glu Val Thr Gln Asn Lys

1 5

<210> 10682

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10682

His Leu Asp Ser Asn Gly Ser

1 5

<210> 10683

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10683

Asn Thr Asp Ser Arg Val Gly

1 5

<210> 10684

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10684

Ser Met Gly Leu Lys Glu Lys

1 5

<210> 10685

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10685

Leu Ser Thr Ser Tyr Thr Arg

1 5

<210> 10686

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10686

Ser Gly Met Ser Asn Asn His

1 5

<210> 10687

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10687

Thr Asn Tyr Asp Leu Arg Ala

1 5

<210> 10688

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10688

Thr Pro Gln Ser Gln Glu Met

1 5

<210> 10689

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10689

Asn Ser Asn Met Val Thr Pro

1 5

<210> 10690

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10690

Ser Ala Val Pro Asn Val Lys

1 5

<210> 10691

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10691

Val Leu Val Ala Gly Ser Arg

1 5

<210> 10692

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10692

Gly Asn Asn Ser Arg Asn Met

1 5

<210> 10693

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10693

Met Pro Arg Gly His Val Ser

1 5

<210> 10694

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10694

Trp Ser His Ser Glu Asn Ser

1 5

<210> 10695

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10695

Phe Glu Lys Asp Pro Val Ala

1 5

<210> 10696

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10696

Ile Thr Gln Ala Thr Pro Ser

1 5

<210> 10697

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10697

Ala Asn Leu Ser His Leu His

1 5

<210> 10698

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10698

Gly Ile Thr Asn Ser Thr Ile

1 5

<210> 10699

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10699

Pro Ser Gln Gln Pro Thr Arg

1 5

<210> 10700

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10700

Gln Gln Thr His Glu Asp Ile

1 5

<210> 10701

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10701

Gln Val Asn Val Ser Pro Asp

1 5

<210> 10702

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10702

Lys Ala Val Val Thr Gln Thr

1 5

<210> 10703

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10703

Asn Thr Val Arg Ser Ser Thr

1 5

<210> 10704

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10704

Asn Ala Ser Ser His Leu Leu

1 5

<210> 10705

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10705

Tyr Ile Lys Asp Ser Thr Pro

1 5

<210> 10706

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10706

Ser Ser Glu Ser Thr Asn Leu

1 5

<210> 10707

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10707

Lys Glu Asn Val Glu Gly Asn

1 5

<210> 10708

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10708

Asn Asn Val Leu Gly Thr Pro

1 5

<210> 10709

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10709

Gln Asn Val Ser Ile Leu Asp

1 5

<210> 10710

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10710

Pro Leu Asn Ser Glu Asn Asn

1 5

<210> 10711

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10711

Thr Ile Asn Leu Val Gly Tyr

1 5

<210> 10712

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10712

Pro Ala Leu Ala Ala Gln Ala

1 5

<210> 10713

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10713

Thr Leu Gln Asn Ser Ile Thr

1 5

<210> 10714

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10714

Leu Gly Gly Thr Asp Gly His

1 5

<210> 10715

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10715

Ala Gly Pro Ile Asn Asn Thr

1 5

<210> 10716

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10716

His Val Leu Thr Gln Ser Val

1 5

<210> 10717

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10717

Thr Thr Ile Pro Ser His Gln

1 5

<210> 10718

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10718

His Asp Gly Leu Leu Ser Arg

1 5

<210> 10719

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10719

Ser Ile His Thr Gly Leu Thr

1 5

<210> 10720

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10720

Gly Asn Met Thr Lys Phe Thr

1 5

<210> 10721

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10721

Tyr Ala Leu Ser Thr Asp Thr

1 5

<210> 10722

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10722

Thr Gln Ala Asp Asn Leu Lys

1 5

<210> 10723

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10723

Trp Tyr Lys Thr Leu Asp Ala

1 5

<210> 10724

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10724

Pro Gln Tyr Ala Lys Ile Ser

1 5

<210> 10725

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10725

Leu Ala Thr Asp Asn Lys Ser

1 5

<210> 10726

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10726

Leu Ser Val Val Ile Thr Ser

1 5

<210> 10727

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10727

Asn Val Pro Thr Ser Pro Arg

1 5

<210> 10728

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10728

Ala Arg Pro Asp Leu Lys Leu

1 5

<210> 10729

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10729

Ser Ala Leu Ala Asn Thr Leu

1 5

<210> 10730

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10730

Leu Met Asp Phe Ser Asn Pro

1 5

<210> 10731

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10731

Pro Arg Thr Glu Leu Ile Ser

1 5

<210> 10732

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10732

Thr Ser Asp Ile Lys Ser Lys

1 5

<210> 10733

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10733

Ser Asn Ala Thr Met Arg Phe

1 5

<210> 10734

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10734

Val Gln Ser Pro Ala Leu Gln

1 5

<210> 10735

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10735

Thr Ala Asn Thr Thr Ser Arg

1 5

<210> 10736

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10736

Gln His Met Thr Ser Gln Ile

1 5

<210> 10737

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10737

Ser Asn Met Ser Leu Ser Ser

1 5

<210> 10738

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10738

Ile Thr Gly Ile Pro Thr Ser

1 5

<210> 10739

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10739

Phe Thr Asn Asn Val Arg Asp

1 5

<210> 10740

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10740

Asn Ser Asn Ala Gly Gly Lys

1 5

<210> 10741

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10741

Tyr Asn Thr Asp Ile Thr Lys

1 5

<210> 10742

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10742

Phe Ser Asn Pro Asp Lys Met

1 5

<210> 10743

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10743

Leu Met Thr Thr Ser Thr Ile

1 5

<210> 10744

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10744

Thr Asn Ser Thr Leu Arg Gln

1 5

<210> 10745

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10745

Ser Asn Tyr Thr Lys Ile Ile

1 5

<210> 10746

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10746

Ser Ala Gly Leu Ile Ser Ser

1 5

<210> 10747

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10747

Lys Gln Gly Pro Met Leu Ser

1 5

<210> 10748

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10748

Val Arg Thr Pro Gly Val Gln

1 5

<210> 10749

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10749

Thr Pro Asp His Arg Glu Arg

1 5

<210> 10750

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10750

Met Asn Ala Thr Val Pro Ser

1 5

<210> 10751

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10751

Leu His Ser Met Leu Ala Pro

1 5

<210> 10752

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10752

Asp Met His His Ser Gln Pro

1 5

<210> 10753

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10753

Lys Pro Leu Pro Thr Thr Tyr

1 5

<210> 10754

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10754

Ala Met Gln Val Thr Leu Ser

1 5

<210> 10755

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10755

Ser Pro Thr His Asp Ala Arg

1 5

<210> 10756

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10756

Ala Leu Ser Val Lys Glu Leu

1 5

<210> 10757

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10757

Pro Ser Arg Val Pro Thr Gln

1 5

<210> 10758

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10758

Gly Ser Leu Gly Leu Gly Lys

1 5

<210> 10759

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10759

His Ser Ser Tyr Ser Ser Lys

1 5

<210> 10760

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10760

Pro Asn Pro Ser Asn Pro Ser

1 5

<210> 10761

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10761

Thr Lys Asn Gly Val Ala Gln

1 5

<210> 10762

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10762

Gly Ser Thr Ser Ser Ala Tyr

1 5

<210> 10763

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10763

Arg Ser Thr His Glu Asn Thr

1 5

<210> 10764

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10764

Ser Gly His Asp Arg Asp Ala

1 5

<210> 10765

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10765

Asn Thr Gln Ser Tyr Thr Ser

1 5

<210> 10766

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10766

Asp Arg Val Pro His Leu Arg

1 5

<210> 10767

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10767

Asn Asn Pro Pro His Met Arg

1 5

<210> 10768

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10768

Arg Ser Leu Gln Ser Gln Phe

1 5

<210> 10769

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10769

Ile Arg Asp Asp Arg Ser Leu

1 5

<210> 10770

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10770

Met Leu Ser Ala Pro Leu Pro

1 5

<210> 10771

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10771

Thr Ser Ser Ile Leu Thr Thr

1 5

<210> 10772

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10772

Arg Glu Gln Met Asn Leu Val

1 5

<210> 10773

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10773

Lys Thr Gln Ser Leu Ser Asn

1 5

<210> 10774

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10774

Leu Lys Thr Ala Glu Tyr Thr

1 5

<210> 10775

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10775

Ser Ser Glu Lys Pro Phe Arg

1 5

<210> 10776

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10776

Pro Thr Ser Gly Val Phe Gly

1 5

<210> 10777

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10777

Gly Pro Ser Ile Val Thr Met

1 5

<210> 10778

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10778

Thr Ser Asp Lys Ser Ser Leu

1 5

<210> 10779

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10779

Asn Thr Ile Thr Met Ala Lys

1 5

<210> 10780

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10780

Arg Asn Gln Pro Val Pro Ser

1 5

<210> 10781

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10781

Ser Val His Leu Asn Leu Gln

1 5

<210> 10782

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10782

Tyr Asn Leu Thr Met Val Ser

1 5

<210> 10783

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10783

Thr Ala Asp Ser His Pro Arg

1 5

<210> 10784

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10784

Leu Leu Gly Glu Lys Val Met

1 5

<210> 10785

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10785

Trp Asp Leu Thr Ala Pro Gln

1 5

<210> 10786

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10786

Val Leu Ala Asp Arg Leu Pro

1 5

<210> 10787

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10787

Ser Arg Ala Leu Pro Asn Ser

1 5

<210> 10788

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10788

Ser Ser Leu Asn Met Pro Arg

1 5

<210> 10789

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10789

Gln Lys Val Ser Ile Leu Ala

1 5

<210> 10790

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10790

Arg Gly Asp Asn Ser Arg Leu

1 5

<210> 10791

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10791

Arg Ile Asp Leu Gly Ser Gln

1 5

<210> 10792

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10792

Ala Ser Leu Gly Leu Arg Ala

1 5

<210> 10793

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10793

Ser Met Gln Asn Gly Leu Arg

1 5

<210> 10794

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10794

Thr Leu Ala Val Gly Ile Ala

1 5

<210> 10795

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10795

Gly Gln Thr Val Thr Gly Ala

1 5

<210> 10796

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10796

His Ala Leu Ser Pro Ser Pro

1 5

<210> 10797

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10797

Val Ser Ser Val Phe Thr Glu

1 5

<210> 10798

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10798

Tyr Gly Ala Gly Ala Val Lys

1 5

<210> 10799

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10799

Lys Glu Thr Leu Pro Asn Ala

1 5

<210> 10800

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10800

Ile Pro Ser Gln Thr Pro Leu

1 5

<210> 10801

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10801

Ser Ala Ile Ser Thr Phe Val

1 5

<210> 10802

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10802

Val Asn Ser Thr Ser Ser Thr

1 5

<210> 10803

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10803

Pro Thr Arg Asp Tyr Lys Glu

1 5

<210> 10804

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10804

Asn Asn Pro Ala Ser Thr Gln

1 5

<210> 10805

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10805

Val Thr Gln Thr Ser Val Asn

1 5

<210> 10806

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10806

Trp Ala Gly Thr Thr Ser His

1 5

<210> 10807

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10807

Val Thr Ala Gly Phe Ser Ala

1 5

<210> 10808

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10808

Leu His Ser Pro Ser Met Gln

1 5

<210> 10809

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10809

Phe Pro Thr Gln Pro Ser Met

1 5

<210> 10810

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10810

Ala Gln Ser Val Asn Asp Gly

1 5

<210> 10811

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10811

Val Ala Ser Thr Thr Tyr Thr

1 5

<210> 10812

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10812

Leu Gly Gly Leu Asn Ser Val

1 5

<210> 10813

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10813

Ala Gly Ala Pro Ser Leu Ser

1 5

<210> 10814

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10814

Ser Asn Arg Lys Ile Asp Asp

1 5

<210> 10815

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10815

Ser Pro Asn Asn Arg Ala Val

1 5

<210> 10816

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10816

Val Leu Arg Glu Asp Gln Ser

1 5

<210> 10817

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10817

Leu Leu Ala Thr Gly Leu Lys

1 5

<210> 10818

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10818

Val His Leu Arg Ser Gln Ile

1 5

<210> 10819

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10819

Ser Ala Asn Ser Asn Leu Lys

1 5

<210> 10820

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10820

Ser Lys Ala Gly Glu Gly Asn

1 5

<210> 10821

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10821

Val Ser Asn Pro Ala Met Lys

1 5

<210> 10822

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10822

Ile Asn Gly Asn Asn Gln Arg

1 5

<210> 10823

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10823

Tyr Lys Ser Thr Thr Leu Ser

1 5

<210> 10824

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10824

Lys Glu Gly Leu Val Ser Arg

1 5

<210> 10825

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10825

His Leu Lys Val Met Thr Ile

1 5

<210> 10826

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10826

Arg Thr Asn Asp His Ser Ser

1 5

<210> 10827

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10827

Leu Pro Ser Gln Ser Ala Lys

1 5

<210> 10828

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10828

Ile Thr Leu Arg His Leu Gln

1 5

<210> 10829

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10829

Gln Met Ile Ala Asn Ile Pro

1 5

<210> 10830

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10830

Ser Ser Ser Thr Asp Gln His

1 5

<210> 10831

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10831

Arg Ser Thr Asp Phe Thr Pro

1 5

<210> 10832

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10832

Gln His Ala Ser Ile Ser Ala

1 5

<210> 10833

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10833

Asn Ile Ser Ser Met Gln Met

1 5

<210> 10834

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10834

Ser Gly Asn Val Val Gly Arg

1 5

<210> 10835

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10835

Ser Lys Gly Asp Thr Ser Ala

1 5

<210> 10836

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10836

Leu Leu Asn Thr Gly Thr Lys

1 5

<210> 10837

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10837

Gly Thr Gly Ala Ser Met Asn

1 5

<210> 10838

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10838

Arg Leu Asp Ala Asn Ser Thr

1 5

<210> 10839

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10839

Leu Pro Glu Arg Pro Asn Ser

1 5

<210> 10840

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10840

Ala Arg Glu Ile Leu Asn His

1 5

<210> 10841

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10841

Asn Phe Lys Thr Thr Asn Ser

1 5

<210> 10842

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10842

Gly Arg Thr Val Gln Asp Arg

1 5

<210> 10843

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10843

Gly Met Asn Gln Thr Thr Thr

1 5

<210> 10844

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10844

Val Gly Lys Asp Gly Val Leu

1 5

<210> 10845

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10845

Val Thr Arg Asp Gly Ala Lys

1 5

<210> 10846

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10846

Gly Thr Ala Thr Tyr Gly Lys

1 5

<210> 10847

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10847

Met Leu Gly Ala Glu Gly Tyr

1 5

<210> 10848

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10848

Val Thr Gln Gln Asn His His

1 5

<210> 10849

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10849

Thr Val Asn Ala Asp Gln Leu

1 5

<210> 10850

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10850

Gln Met Gln Asn Ser Pro Ile

1 5

<210> 10851

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10851

Gly Thr Leu Ala Ser Ser Lys

1 5

<210> 10852

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10852

Ser Asn Val Thr Ile Ala His

1 5

<210> 10853

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10853

Ala Asn Asn Ser Arg Pro Phe

1 5

<210> 10854

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10854

Ile Ala Thr Ala Gly Gly Pro

1 5

<210> 10855

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10855

Ala Phe Ser Gly Pro Ser Arg

1 5

<210> 10856

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10856

Leu Thr Asn Leu Val Ser Arg

1 5

<210> 10857

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10857

Ala Gly Gln His Leu Ala Leu

1 5

<210> 10858

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10858

Ser Val Val Ala Ser Ala Asn

1 5

<210> 10859

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10859

Glu Thr Val Ser Thr Ser Leu

1 5

<210> 10860

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10860

Ile Leu Ala Ala Leu Thr Gly

1 5

<210> 10861

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10861

Thr Thr Asp Lys Ala Ala Leu

1 5

<210> 10862

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10862

Tyr Leu Asp Lys Pro Gly Ala

1 5

<210> 10863

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10863

Pro Asn Leu Ser Asn Leu Met

1 5

<210> 10864

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10864

Ile Asn Ala Pro Thr Ala Ser

1 5

<210> 10865

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10865

His Gly Gly Thr Ser Leu Ala

1 5

<210> 10866

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10866

Asn Ile Gln Leu Ser Leu Ala

1 5

<210> 10867

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10867

Thr Leu His Met Ser Ser Lys

1 5

<210> 10868

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10868

Ala Ile Ile Asn Pro His Ser

1 5

<210> 10869

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10869

Asn Thr Leu Ile Asn Val Ser

1 5

<210> 10870

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10870

Asn Ser Val Val Leu Ala Met

1 5

<210> 10871

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10871

Asn Met Ala Ser Leu Ser Ala

1 5

<210> 10872

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10872

Ser Ser Thr His Leu Leu Ala

1 5

<210> 10873

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10873

Asp Asn Ser Gln Ser Asp Lys

1 5

<210> 10874

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10874

Gly Ile Thr Thr Asn Ala His

1 5

<210> 10875

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10875

Ser Ser Thr Ile Asn Gly Tyr

1 5

<210> 10876

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10876

Asn His Thr Arg Met Asn Glu

1 5

<210> 10877

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10877

Gly Asn Gln Gln Lys Asn Leu

1 5

<210> 10878

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10878

Gly Thr Ser Asp Arg Gln Gln

1 5

<210> 10879

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10879

Ser Asp Ser Glu Tyr Lys Pro

1 5

<210> 10880

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10880

Thr Ala Ala His Val Ser Tyr

1 5

<210> 10881

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10881

Met Ala Thr Thr His Ala Ala

1 5

<210> 10882

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10882

Asn Ser Val Arg Gln Ser Leu

1 5

<210> 10883

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10883

Ser Gly Ser Gly Val Ser Ser

1 5

<210> 10884

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10884

Pro Thr Thr Arg Ile Thr Asp

1 5

<210> 10885

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10885

Ser His Glu Ala Lys Asn Pro

1 5

<210> 10886

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10886

Pro Tyr Ser Thr Ala Asp Arg

1 5

<210> 10887

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10887

Met Leu Ser Asn Thr Asn His

1 5

<210> 10888

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10888

Ser Leu Gly Leu Gly Gly Ser

1 5

<210> 10889

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10889

Asn Ala Met Asn Met Pro Val

1 5

<210> 10890

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10890

Met Leu Gly His Ile Ala Asn

1 5

<210> 10891

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10891

Lys Gly Gln Thr Val Ser Glu

1 5

<210> 10892

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10892

Met Asp Asn Arg Asn Asn Trp

1 5

<210> 10893

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10893

Leu Leu His Arg Asn Asp Val

1 5

<210> 10894

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10894

Ala Asn Leu Val Ser Ala Lys

1 5

<210> 10895

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10895

Ser Leu Thr Arg Asp Leu Lys

1 5

<210> 10896

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10896

Gly Gly Gln Ile Val Ser Arg

1 5

<210> 10897

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10897

Asn Tyr Thr Pro Asp Lys Arg

1 5

<210> 10898

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10898

Leu Tyr Ala Asn His His Ser

1 5

<210> 10899

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10899

Glu Ser Val Ala Gly His Met

1 5

<210> 10900

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10900

Glu Pro Arg Gln Asp Ala His

1 5

<210> 10901

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10901

Ser Val Gly Gly Thr Thr Gln

1 5

<210> 10902

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10902

Gln Pro Ala Met Phe Asn Gly

1 5

<210> 10903

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10903

Val Lys Gln Thr Val Met Ser

1 5

<210> 10904

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10904

Leu Tyr Glu Gln Ala Ser Lys

1 5

<210> 10905

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10905

Ile Asn Ala Ala Ile Ala Leu

1 5

<210> 10906

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10906

Leu Glu Leu Ser His Ser Arg

1 5

<210> 10907

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10907

Ser Val Lys Ser Ile Met Asn

1 5

<210> 10908

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10908

Val Pro Asn Arg Glu Pro Lys

1 5

<210> 10909

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10909

Ile Ala Ser Leu Leu Ser Arg

1 5

<210> 10910

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10910

Ala Asn Asn Val Ala Asp Arg

1 5

<210> 10911

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10911

Ser Val Asp Arg Ala Glu Arg

1 5

<210> 10912

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10912

Val Leu Ala Asp Arg Val Pro

1 5

<210> 10913

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10913

Arg Thr Asp Ser Ser His Pro

1 5

<210> 10914

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10914

Ile Leu Gly Thr Gly Gly Gln

1 5

<210> 10915

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10915

Ser Thr Ala Gln Ala Ser Tyr

1 5

<210> 10916

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10916

Val Gly Pro Ile Asn Thr Val

1 5

<210> 10917

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10917

Gln Thr Asn Asn Thr Val Arg

1 5

<210> 10918

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10918

Gly Asn Ala Val Arg Ser Thr

1 5

<210> 10919

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10919

Gln Asn Leu Thr Lys Gly Gln

1 5

<210> 10920

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10920

Lys Gln Leu Ser Lys Asp Tyr

1 5

<210> 10921

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10921

Met Val Gln Asn Gly Leu Ile

1 5

<210> 10922

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10922

Ile Val Glu His Met Pro Leu

1 5

<210> 10923

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10923

Tyr Asp Thr Thr Ser Ile Phe

1 5

<210> 10924

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10924

Asn Ser Ile Ser Ser Ser Ala

1 5

<210> 10925

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10925

Gly Gly Asn Asn Ser Leu His

1 5

<210> 10926

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10926

Ile Ser Gly Ala Ser Leu Met

1 5

<210> 10927

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10927

Ala Thr Leu Ser Arg Asn Val

1 5

<210> 10928

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10928

Leu Ala Asn Asn Val Pro Leu

1 5

<210> 10929

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10929

Trp Ser Asp Pro Ser Asp Leu

1 5

<210> 10930

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10930

Ser Ser Leu Thr Asp Gln Pro

1 5

<210> 10931

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10931

Tyr Val Pro Asp His Thr Arg

1 5

<210> 10932

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10932

Asn Asn Thr Glu Gly Lys Ala

1 5

<210> 10933

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10933

Gly Asn Ser Val Arg Leu Ile

1 5

<210> 10934

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10934

Ile Ala Gln Ser Asn Thr Leu

1 5

<210> 10935

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10935

His Asp Asn Ala Thr Lys Tyr

1 5

<210> 10936

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10936

Thr Lys Ala Asn Glu Met Gln

1 5

<210> 10937

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10937

Tyr Leu Gly Thr Val Val Ala

1 5

<210> 10938

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10938

Pro Ser Ile Glu Leu Lys Pro

1 5

<210> 10939

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10939

Ala Ala Gly Asn Val Leu Met

1 5

<210> 10940

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10940

Thr Ser Val Ala Asn Leu Arg

1 5

<210> 10941

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10941

Phe Ser Arg Glu Pro Lys Pro

1 5

<210> 10942

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10942

Thr Pro Arg Glu Asn Trp Gly

1 5

<210> 10943

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10943

Ser Gln Asn Val Gly Thr Lys

1 5

<210> 10944

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10944

Tyr Leu Asp Lys Gly Arg Thr

1 5

<210> 10945

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10945

Thr Ser Thr Thr Pro Phe Leu

1 5

<210> 10946

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10946

Arg Gln Asp Asn Leu Glu Leu

1 5

<210> 10947

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10947

Ile Ser Asp Ser Arg Val His

1 5

<210> 10948

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10948

Ser Gln Ser Ser His Tyr Lys

1 5

<210> 10949

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10949

Leu Asn Arg Val Val Ser Gln

1 5

<210> 10950

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10950

Met Ala Leu Asp Asn Ser Arg

1 5

<210> 10951

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10951

Leu Ile Gln Ser Met Ala Lys

1 5

<210> 10952

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10952

Ala Gly Glu Pro Asn Ser Arg

1 5

<210> 10953

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10953

Ser Asn Gln Ser Thr Val Arg

1 5

<210> 10954

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10954

Thr Ser Asn Leu Ser Glu Arg

1 5

<210> 10955

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10955

Ser Asn Ser Thr Ser Arg Ala

1 5

<210> 10956

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10956

Met Gln Gln Gln Phe Pro Ser

1 5

<210> 10957

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10957

Phe Asn Thr Leu Ala Glu Val

1 5

<210> 10958

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10958

Pro Gly Val Thr Val Ile Ser

1 5

<210> 10959

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10959

Leu Gln Asn Val His Asp Ser

1 5

<210> 10960

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10960

Asn Ser Val Ile Gly Gly Ser

1 5

<210> 10961

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10961

Asn Glu Gly Val Arg Pro Leu

1 5

<210> 10962

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10962

Ser Val Asn Pro Ser Val Val

1 5

<210> 10963

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10963

Met Ser Thr Thr Ser Glu Asp

1 5

<210> 10964

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10964

Ile His Ser Gly Leu Pro Lys

1 5

<210> 10965

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10965

Gly Met Asn Gly Tyr Pro Lys

1 5

<210> 10966

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10966

Ser Ile Arg Asp Ser Val Lys

1 5

<210> 10967

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10967

Met Leu Lys Pro Asp Asn Val

1 5

<210> 10968

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10968

Ala Phe Thr Ser Ser Leu Gly

1 5

<210> 10969

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10969

Met Leu Asp Lys Ser Ser Ser

1 5

<210> 10970

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10970

Lys Thr Gln Asn Thr Gln Met

1 5

<210> 10971

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10971

Gly Thr Thr Ser Ser Met Ala

1 5

<210> 10972

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10972

Gly Ser Ala Ala Ser Gln Ala

1 5

<210> 10973

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10973

Ala His Ser Asn Ile Asp Ser

1 5

<210> 10974

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10974

Gly Ser Ala Ser Ser Leu Leu

1 5

<210> 10975

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10975

Leu Ser Pro Asn Ser Ser Phe

1 5

<210> 10976

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10976

Gly His Ser Val Thr Pro Ser

1 5

<210> 10977

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10977

Lys Gly Gly Asn Ser Ile Asp

1 5

<210> 10978

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10978

Leu Gly Pro Ser Pro Ser Ala

1 5

<210> 10979

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10979

Gln Leu Pro Met Leu Asn Ala

1 5

<210> 10980

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10980

Ala Thr Asn Ile Leu Thr Ala

1 5

<210> 10981

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10981

Leu Met Gln Asn Gly Gln Lys

1 5

<210> 10982

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10982

His Asn Asn Gly Gln Ala Leu

1 5

<210> 10983

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10983

Ser Ile Thr Gln Thr Leu Ser

1 5

<210> 10984

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10984

Gly Asn Arg Ile Ser Asn Thr

1 5

<210> 10985

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10985

Gly Pro Gln Asn Asp Pro Pro

1 5

<210> 10986

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10986

Ile Asn Gly Met Gly Pro Asn

1 5

<210> 10987

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10987

Thr Gly Asn Ala His Pro Asn

1 5

<210> 10988

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10988

Tyr Ala Val Asn Leu Asn Asn

1 5

<210> 10989

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10989

Ala Leu Ile Ser Asn Ser Thr

1 5

<210> 10990

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10990

Ser His Val Ser Thr Thr Met

1 5

<210> 10991

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10991

Leu Asp Asp Phe Val Arg Pro

1 5

<210> 10992

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10992

Asn Asn Thr Ala Arg Ser Val

1 5

<210> 10993

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10993

Asn Lys Tyr Pro Gln Pro Ser

1 5

<210> 10994

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10994

Tyr Ala Ser Glu Leu Phe Val

1 5

<210> 10995

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10995

Phe Tyr Thr Ala Asn Ala Ser

1 5

<210> 10996

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10996

Phe Thr Lys Ser Asn Ala Thr

1 5

<210> 10997

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10997

Leu Ala Val Ser Gln Met Arg

1 5

<210> 10998

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10998

Arg Asn Gly Gln Leu Ile Val

1 5

<210> 10999

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 10999

Asp Thr Ala Asn Thr Ala Arg

1 5

<210> 11000

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11000

Lys Pro Thr Glu Val Gln His

1 5

<210> 11001

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11001

Leu Thr Asn Ala Ala Thr Tyr

1 5

<210> 11002

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11002

Ile Ser Asn Val Gln Ala Asn

1 5

<210> 11003

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11003

Glu Ser Arg Asn Asn Gly Phe

1 5

<210> 11004

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11004

Ser Thr Gly Pro Thr Met His

1 5

<210> 11005

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11005

Thr Pro Gly Glu Ser His Lys

1 5

<210> 11006

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11006

Ser Val Ser Ile Ala Ser Ser

1 5

<210> 11007

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11007

Asn Gly Val Thr Gln Ser Lys

1 5

<210> 11008

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11008

Ala Lys Asn Thr Tyr Ala Ser

1 5

<210> 11009

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11009

Gly Thr Ser Asp Gly His Arg

1 5

<210> 11010

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11010

Trp Ser Gln Asn Lys Gly Tyr

1 5

<210> 11011

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11011

Gly Gln Leu Ala Arg Ser Val

1 5

<210> 11012

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11012

Ile Gly Gly Gly Ala Gln Lys

1 5

<210> 11013

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11013

Ala Gly Asn Ala Ser His Thr

1 5

<210> 11014

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11014

Phe Asn Gln Val Gly Lys Met

1 5

<210> 11015

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11015

Thr Arg Asp Thr Leu Tyr Lys

1 5

<210> 11016

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11016

Asn Gly Ser Pro Ser Tyr Asn

1 5

<210> 11017

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11017

Leu Ala Glu Ala His Ala Arg

1 5

<210> 11018

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11018

Pro Met Ser Asn Ser Glu Arg

1 5

<210> 11019

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11019

His Val Thr Ser Leu Asn Asp

1 5

<210> 11020

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11020

Gly Ala Pro His Val Ser Arg

1 5

<210> 11021

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11021

Asn Thr Asn Gly Asn Ser Ala

1 5

<210> 11022

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11022

Asn Glu Leu Thr Gly Met Leu

1 5

<210> 11023

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11023

Ser Ser Leu Leu Pro Ala Ala

1 5

<210> 11024

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11024

Pro Val Gly Gln Ser Leu Thr

1 5

<210> 11025

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11025

Leu Thr Ala Ala Lys Gly Leu

1 5

<210> 11026

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11026

Leu Ile Gly Arg Leu Thr Ser

1 5

<210> 11027

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11027

Ala Lys His Asn Asp Asn Ile

1 5

<210> 11028

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11028

Leu Arg Ser Gly Asp Glu Met

1 5

<210> 11029

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11029

Pro Gln Asn Ser Thr Thr Ala

1 5

<210> 11030

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11030

Leu Ala Thr Gly Pro Leu Phe

1 5

<210> 11031

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11031

Ala Ser Ala Val Ser Gln Lys

1 5

<210> 11032

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11032

Ala Pro Val Ser Ser Ala Leu

1 5

<210> 11033

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11033

Thr Met Pro Ser Leu Asp Ser

1 5

<210> 11034

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11034

His Met Asn Phe Pro Asn Pro

1 5

<210> 11035

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11035

Ala Ser Ala Arg Met Asp Ala

1 5

<210> 11036

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11036

Thr Val Ile Val Gly Gly Arg

1 5

<210> 11037

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11037

Ser Ser Gln Ser Gln Thr Val

1 5

<210> 11038

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11038

Ile Asn Thr Thr Ser Gln Lys

1 5

<210> 11039

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11039

Ala Gly Ala Arg Val Thr Glu

1 5

<210> 11040

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11040

Pro Ala Pro His Ser Gly Ser

1 5

<210> 11041

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11041

Leu Asn Val Met Tyr Asn Pro

1 5

<210> 11042

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11042

Gly His Ala Gln Thr Leu Tyr

1 5

<210> 11043

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11043

Thr Pro Asn Leu Ser Thr His

1 5

<210> 11044

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11044

Ser Ala Glu Arg Thr Asn Val

1 5

<210> 11045

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11045

Asn Asn Leu Arg Pro Val Tyr

1 5

<210> 11046

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11046

Asn Gln Gln Ser Ala Tyr Thr

1 5

<210> 11047

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11047

Val Val Asp Gly Lys Thr Gln

1 5

<210> 11048

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11048

Pro Leu Pro Gln Gln Leu Asp

1 5

<210> 11049

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11049

Val Ala Glu Ile Val Gln Leu

1 5

<210> 11050

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11050

Asp Arg Asn Thr Thr Val Arg

1 5

<210> 11051

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11051

Asn Met Met Lys Thr Gly Met

1 5

<210> 11052

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11052

Val Gln Phe Asn Thr Ser Lys

1 5

<210> 11053

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11053

Pro Gly Asn Ala Ser Ile Arg

1 5

<210> 11054

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11054

Leu Gly Gly Ile Leu Ser Ala

1 5

<210> 11055

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11055

Gln Thr Asp His Ser His Leu

1 5

<210> 11056

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11056

Thr Leu His Ala Glu Phe Ser

1 5

<210> 11057

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11057

Leu Ser Asp Arg Leu Asn Ala

1 5

<210> 11058

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11058

Leu Asn Glu Arg Ile Gly Gly

1 5

<210> 11059

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11059

Thr Leu Asn Ser Thr Ala Ser

1 5

<210> 11060

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11060

Ser Gly Arg Val Val Ala Gln

1 5

<210> 11061

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11061

Asn Asn Arg Thr Thr Asn Asn

1 5

<210> 11062

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11062

Asn Val Pro Ser Ser Thr Tyr

1 5

<210> 11063

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11063

Val Pro Ser Thr Ala Leu Lys

1 5

<210> 11064

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11064

Pro Pro Asn Thr Gln Ser Leu

1 5

<210> 11065

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11065

Thr Asn Thr Thr Arg Ala Met

1 5

<210> 11066

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11066

Ser Asn Arg Thr Val Arg Glu

1 5

<210> 11067

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11067

Ala Ser Thr Gln Ile Met Arg

1 5

<210> 11068

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11068

Thr Val Ile Ser Ser Ser Arg

1 5

<210> 11069

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11069

Val Tyr Ser Pro Gln Gly Thr

1 5

<210> 11070

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11070

Gly Ser Pro Thr Gln Ser Met

1 5

<210> 11071

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11071

Ala Val Ser Ser Glu Ala Arg

1 5

<210> 11072

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11072

Gly Ser Val Ala Thr Leu Thr

1 5

<210> 11073

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11073

Ser Ala Asn Thr Gly Thr Gly

1 5

<210> 11074

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11074

Ile Val Gln Gly Thr Ser Met

1 5

<210> 11075

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11075

Thr Pro Ser Leu Gly Val Leu

1 5

<210> 11076

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11076

Pro Asn Met Met Gly Ser Ser

1 5

<210> 11077

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11077

Leu Thr Gln Ser Pro Ala Pro

1 5

<210> 11078

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11078

Lys Gly Ser Asn Ser Thr Leu

1 5

<210> 11079

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11079

Pro Met Ala Ala Ala Pro Arg

1 5

<210> 11080

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11080

Val Thr Thr Gly Pro Ser Arg

1 5

<210> 11081

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11081

Val Val Ser Pro Leu Ser Tyr

1 5

<210> 11082

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11082

Val Thr Gly Ser Val Gln Lys

1 5

<210> 11083

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11083

Gly Gly Thr Thr Val Gln Thr

1 5

<210> 11084

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11084

Asn Ser Ala Gln Ile Asn Met

1 5

<210> 11085

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11085

Pro Gly Thr Gln Lys Pro Thr

1 5

<210> 11086

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11086

Gly Lys Ala Ser His Tyr Pro

1 5

<210> 11087

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11087

Tyr Asn Ser Val Pro Ser Ala

1 5

<210> 11088

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11088

Val Tyr Glu Arg Val Ser His

1 5

<210> 11089

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11089

Asp Val Asn Asn Arg Ser Met

1 5

<210> 11090

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11090

Pro His Ala Val Ser Met Leu

1 5

<210> 11091

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11091

Gly Met Pro Ala Pro Leu Gly

1 5

<210> 11092

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11092

Gln Leu Gln Ile Asn Pro Ala

1 5

<210> 11093

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11093

Thr Met Asp Leu Ser Pro Pro

1 5

<210> 11094

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11094

Thr Thr Asp Leu His Ala Lys

1 5

<210> 11095

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11095

His His Thr Thr Gln Thr Thr

1 5

<210> 11096

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11096

Pro Ser Ser Asn Ser Thr Asn

1 5

<210> 11097

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11097

Thr Arg Tyr Asn Val Asp Pro

1 5

<210> 11098

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11098

Ser Val Val Ser Leu Ser Pro

1 5

<210> 11099

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11099

Glu Lys Val Asp Gln Leu Arg

1 5

<210> 11100

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11100

Ser Asp Ser Arg Gln Thr Leu

1 5

<210> 11101

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11101

Thr Tyr Pro Ala Thr Ser Asp

1 5

<210> 11102

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11102

Ser Met Asn Val Gly Ser Ala

1 5

<210> 11103

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11103

Leu Glu Ser Ser Asn Ala Ile

1 5

<210> 11104

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11104

Ser Pro Thr Asn His Ala Pro

1 5

<210> 11105

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11105

Ala His Glu Gly Met Val Lys

1 5

<210> 11106

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11106

Val Asp Thr Leu Leu Ser Lys

1 5

<210> 11107

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11107

Thr Ala Gly Gln Leu Thr Trp

1 5

<210> 11108

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11108

Met Gly Met Asp Gly Gln Ile

1 5

<210> 11109

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11109

Glu Leu Glu Asn Gly Arg Arg

1 5

<210> 11110

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11110

Leu Asp Leu Ser Val Ser Arg

1 5

<210> 11111

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11111

Ser Gln His Pro Asn Met Thr

1 5

<210> 11112

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11112

Tyr His Glu Val Ser Glu His

1 5

<210> 11113

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11113

Met Arg Ser Pro Pro Pro Thr

1 5

<210> 11114

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11114

Gly Ser Gly Ser Ser Thr Ile

1 5

<210> 11115

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11115

Gly Gly Asp Ala Gly Arg Trp

1 5

<210> 11116

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11116

Lys Ala Glu Ala Met Val Ile

1 5

<210> 11117

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11117

Ala Asn Lys Asp Leu Gly Val

1 5

<210> 11118

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11118

Thr Ser Ser Glu Asn Arg Thr

1 5

<210> 11119

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11119

Gly Pro Asp Arg Thr Ala Ala

1 5

<210> 11120

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11120

Gly Ser Thr Val Val His Leu

1 5

<210> 11121

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11121

Thr Ala Val Val Val Pro Gln

1 5

<210> 11122

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11122

Ala Val Asn Ile Ala Asn Ala

1 5

<210> 11123

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11123

Leu Leu Ser Gln Ser Gly Val

1 5

<210> 11124

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11124

His Thr Gly Glu Gly Lys Leu

1 5

<210> 11125

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11125

Ser Asn Gly Asn Asn Ile Arg

1 5

<210> 11126

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11126

Glu Val Thr Leu Met His Lys

1 5

<210> 11127

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11127

Leu Thr Thr Thr Gly Ser Asn

1 5

<210> 11128

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11128

Asp Ile Ser Gly Lys Ile Ala

1 5

<210> 11129

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11129

Ile Ser Pro Asn Val Tyr Ser

1 5

<210> 11130

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11130

Tyr Asn Lys Leu Val Asp Gly

1 5

<210> 11131

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11131

Phe His Thr His Pro Thr Ser

1 5

<210> 11132

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11132

Pro Thr Leu Glu Ala Thr Ser

1 5

<210> 11133

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11133

Glu Leu Gly Arg Asn Gly Pro

1 5

<210> 11134

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11134

Val Asp Lys Val Glu Arg Leu

1 5

<210> 11135

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11135

Thr Thr Thr Met Thr Pro Arg

1 5

<210> 11136

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11136

Leu Gln Gln Ile Pro Thr Pro

1 5

<210> 11137

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11137

Thr Asp Ser Asn Ser Leu Gln

1 5

<210> 11138

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11138

Asp Asp Arg Ser Val Arg Phe

1 5

<210> 11139

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11139

Leu Ala Thr Gln Asn Ala Ser

1 5

<210> 11140

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11140

Val Gly Thr His Ile His Ser

1 5

<210> 11141

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11141

Ser Glu Arg Ser Ser Val Lys

1 5

<210> 11142

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11142

Gly Tyr Ala His Ser Met Ile

1 5

<210> 11143

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11143

Pro Leu Ser Gly Gly Val Arg

1 5

<210> 11144

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11144

Leu Thr Tyr Val Ala Ser Ser

1 5

<210> 11145

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11145

Val Asp Lys Thr Leu Ser Arg

1 5

<210> 11146

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11146

Pro Asn Leu Val Gly Val Pro

1 5

<210> 11147

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11147

Thr Lys Ile Asp Thr Val Arg

1 5

<210> 11148

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11148

Ser Gly Gly Thr Gln Ala Arg

1 5

<210> 11149

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11149

His Ser Thr Pro Leu Val Ser

1 5

<210> 11150

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11150

His Ser Gly Thr Asn Leu Arg

1 5

<210> 11151

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11151

Ala Gln Pro Arg Leu Val Thr

1 5

<210> 11152

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11152

Pro Leu Gly Ala His Gly Ser

1 5

<210> 11153

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11153

Ile Ser Asp Ala Ser Val Leu

1 5

<210> 11154

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11154

Met Ser Val Gly Val Lys Thr

1 5

<210> 11155

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11155

Asn Ile Ala Glu Gly Leu Ser

1 5

<210> 11156

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11156

Ser Ser Asn Ser Asp Gly Ile

1 5

<210> 11157

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11157

Val Gly Gln Thr Thr Asn Ser

1 5

<210> 11158

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11158

Glu Ser Lys Arg Pro Phe Leu

1 5

<210> 11159

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11159

Ser Gln Glu Asn Ser Arg Thr

1 5

<210> 11160

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11160

Asn Thr Gly Thr Asp His Pro

1 5

<210> 11161

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11161

Gly Asn Trp Val Lys Asp Ile

1 5

<210> 11162

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11162

Arg Leu Thr Glu Thr Val Thr

1 5

<210> 11163

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11163

Gly Glu Ile Gly Val Leu Tyr

1 5

<210> 11164

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11164

Leu Ala Pro Glu Pro Leu Lys

1 5

<210> 11165

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11165

Asn Lys Leu Pro Pro Ala Leu

1 5

<210> 11166

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11166

Asn Ile Gly Thr Arg Asp Ala

1 5

<210> 11167

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11167

Thr Val Arg Glu Leu Gln Pro

1 5

<210> 11168

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11168

Glu Asn His Gly Thr Thr Ser

1 5

<210> 11169

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11169

His Thr Asp Arg Asn Tyr Val

1 5

<210> 11170

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11170

Thr Val Gly Pro Thr Ser His

1 5

<210> 11171

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11171

Gly Leu Val Lys Asp His Pro

1 5

<210> 11172

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11172

Ile Asn Ala Leu Thr Asn Gly

1 5

<210> 11173

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11173

Pro Leu Asp Ser Asn Arg Asp

1 5

<210> 11174

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11174

Leu Lys Val Thr Lys Ile Asp

1 5

<210> 11175

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11175

His Asn Ser Asn Pro Gly Leu

1 5

<210> 11176

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11176

Thr Thr Val Ile Leu Lys Thr

1 5

<210> 11177

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11177

Leu Gly Lys Gly Met Thr Ala

1 5

<210> 11178

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11178

Phe Ser Ile Ser Asp Leu Lys

1 5

<210> 11179

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11179

Ser Thr Asp Thr His Leu Pro

1 5

<210> 11180

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11180

Leu Asn Ala Val Lys Asn Val

1 5

<210> 11181

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11181

Arg Ser Thr Pro Asn Thr Ile

1 5

<210> 11182

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11182

Leu Ser Ile Lys Leu Gln Asn

1 5

<210> 11183

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11183

Ser Leu Ala Ile Thr Ser Ser

1 5

<210> 11184

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11184

Arg Gln Asp Ile Thr Ile Ala

1 5

<210> 11185

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11185

Gly Asn Ala Thr Pro Arg Ser

1 5

<210> 11186

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11186

Ser Leu Val Gly Thr Thr Ser

1 5

<210> 11187

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11187

Trp Gln Thr Gln Asp Lys Glu

1 5

<210> 11188

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11188

Thr Pro Asn Val Pro Ser Pro

1 5

<210> 11189

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11189

Ile Asn Thr Ile Ser Pro Lys

1 5

<210> 11190

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11190

Pro Leu Gly Thr Ser Asn Thr

1 5

<210> 11191

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11191

Ser Gln Val Asn Gly Gly Lys

1 5

<210> 11192

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11192

Pro Ile Asn Asp Lys Val Met

1 5

<210> 11193

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11193

Asn Val Ser Ser Ser Ile Leu

1 5

<210> 11194

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11194

Gln Ala Asn Trp Thr Ala Ser

1 5

<210> 11195

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11195

Arg Pro Glu Asn His Ser Ser

1 5

<210> 11196

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11196

Thr Arg Asn Leu Asp Val His

1 5

<210> 11197

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11197

Ile Asn Ser Ser Phe Ser Lys

1 5

<210> 11198

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11198

Ser Ile Gln Gly Ser Gln Arg

1 5

<210> 11199

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11199

Val Val Ala Val Gly Gln Phe

1 5

<210> 11200

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11200

Val Asn Lys Val Arg Asp Val

1 5

<210> 11201

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11201

Lys Pro Asn Ala Gln Ile Gln

1 5

<210> 11202

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11202

Met Ser Ile Gly Thr Gly Ser

1 5

<210> 11203

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11203

Gly Leu Gln Ala Thr Tyr Ser

1 5

<210> 11204

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11204

Gln Thr Leu Ser Ala Ser Ser

1 5

<210> 11205

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11205

Asp Pro Pro Asn Lys Phe Pro

1 5

<210> 11206

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11206

Arg Ile Ser Thr Leu Gly Leu

1 5

<210> 11207

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11207

Asn Ser Asp Arg Ser Val Ser

1 5

<210> 11208

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11208

Tyr Asn Leu Arg Leu Gly Gly

1 5

<210> 11209

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11209

Val Gln Asp Arg Ala Met Thr

1 5

<210> 11210

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11210

Ser Ser Ser Thr Leu Pro Arg

1 5

<210> 11211

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11211

Gly Gly Val Gln Thr Asp Ser

1 5

<210> 11212

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11212

Leu Leu Ser Asn Asn Thr Arg

1 5

<210> 11213

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11213

Tyr His Ala Ala Gln Ala Val

1 5

<210> 11214

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11214

Met Ser Gly Val Gly Ser Ser

1 5

<210> 11215

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11215

Leu Thr Gly Gln Val Leu Val

1 5

<210> 11216

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11216

Ala Val Asn Arg Leu Pro Ile

1 5

<210> 11217

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11217

Ser Ser Gln Met Pro Leu Arg

1 5

<210> 11218

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11218

Ser Ser Asn Ile Ala Asp Ser

1 5

<210> 11219

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11219

Val Val Thr Pro Gln Ile Ser

1 5

<210> 11220

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11220

Asp Ser Lys Lys Met Ser Trp

1 5

<210> 11221

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11221

Glu Thr Tyr Lys Thr Thr Leu

1 5

<210> 11222

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11222

Leu Thr Met Gly Asn Ser Leu

1 5

<210> 11223

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11223

Phe Lys Val Ser Ile Gln Gln

1 5

<210> 11224

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11224

Asp Gly His Ala His Leu Pro

1 5

<210> 11225

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11225

Thr Ala Val Ser Leu Ser Asn

1 5

<210> 11226

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11226

Ser Gln Asn Gln Met Gln Thr

1 5

<210> 11227

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11227

Gln Ser Val Thr Thr Gln His

1 5

<210> 11228

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11228

Leu Ser Thr Ala Leu Thr Val

1 5

<210> 11229

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11229

Leu Ala Asn Ala Val Thr Lys

1 5

<210> 11230

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11230

Thr Gly His Val His Glu Asn

1 5

<210> 11231

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11231

Ser Ile Ser Asp Thr Ala Ser

1 5

<210> 11232

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11232

Pro Val Val Gln Ser Val Gly

1 5

<210> 11233

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11233

Gln His Leu Ser Thr Val Asn

1 5

<210> 11234

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11234

Leu Ser His Asn Thr Thr His

1 5

<210> 11235

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11235

Pro Ser Asn Phe Ser Asn Ser

1 5

<210> 11236

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11236

Phe Asp Lys Ser Val Pro Ser

1 5

<210> 11237

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11237

Thr Gln Ala Thr Glu Lys Asp

1 5

<210> 11238

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11238

Leu Ser Ala Lys Ala Ser Gln

1 5

<210> 11239

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11239

Ser Val Gln Pro Ala Val Ser

1 5

<210> 11240

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11240

Ser Leu Met His Gly Thr Pro

1 5

<210> 11241

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11241

Pro Thr Ile Arg Thr Asn Thr

1 5

<210> 11242

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11242

Asn Asp Ser Leu Lys Val Asn

1 5

<210> 11243

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11243

Ser Thr Gln Pro Val Asn Arg

1 5

<210> 11244

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11244

Ser Ser Asp Lys His Asn Pro

1 5

<210> 11245

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11245

Phe Leu Glu Asn Ala Lys Ile

1 5

<210> 11246

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11246

Val Ser Thr Gly Thr Leu Lys

1 5

<210> 11247

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11247

Arg Asp Ala Ser Leu Ser Thr

1 5

<210> 11248

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11248

Lys Gly Thr Glu Ile Lys Leu

1 5

<210> 11249

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11249

Ile Met Asn Gln Leu Gly Asp

1 5

<210> 11250

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11250

Pro Ser Asn Asn Thr Gln Ile

1 5

<210> 11251

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11251

Thr Ser Ser Ser Ile Thr Thr

1 5

<210> 11252

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11252

Arg Asp Leu Asn Ala His Asn

1 5

<210> 11253

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11253

Thr Gly Phe Ala Arg Ser Glu

1 5

<210> 11254

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11254

Leu Glu Gln Leu Ala Pro Lys

1 5

<210> 11255

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11255

Ala Ala Met Gln Ser Glu Arg

1 5

<210> 11256

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11256

Gln Leu Asn Tyr Glu Ala His

1 5

<210> 11257

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11257

Ala Asn Pro Gly Ser Leu Leu

1 5

<210> 11258

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11258

Leu Arg His Ile Glu Thr Pro

1 5

<210> 11259

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11259

Leu Pro Gln Asn Ser Ala Lys

1 5

<210> 11260

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11260

Ala Gly Ser Pro Ile Ser Arg

1 5

<210> 11261

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11261

Arg Ala Thr Asn Val Glu Val

1 5

<210> 11262

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11262

Pro Gln Pro Asn Asn Arg Gly

1 5

<210> 11263

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11263

Ser Pro Ser Thr Pro His Leu

1 5

<210> 11264

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11264

Leu Ser Asn Thr Leu Thr Asn

1 5

<210> 11265

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11265

Ser Asn Arg Glu Gly Leu Met

1 5

<210> 11266

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11266

Val Ala His Ser Pro Pro Ser

1 5

<210> 11267

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11267

Ser Val Lys Asn Met Leu Thr

1 5

<210> 11268

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11268

Gly Leu Ser Thr Gly Leu Ala

1 5

<210> 11269

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11269

Ala Met Ser Arg Pro Glu Leu

1 5

<210> 11270

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11270

Ala Met Asp Leu Lys Leu Gln

1 5

<210> 11271

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11271

Ala Val Ala Gly Pro Thr Lys

1 5

<210> 11272

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11272

Pro Thr Leu Gly Ser Arg Thr

1 5

<210> 11273

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11273

Ser Glu Asn Pro Ile Asp Pro

1 5

<210> 11274

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11274

Thr Asn Asn Ser Pro Gly Thr

1 5

<210> 11275

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11275

His Thr Ser Pro Thr Ser Leu

1 5

<210> 11276

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11276

Asn Asn Ala Gly Ile Ser Met

1 5

<210> 11277

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11277

Leu Val Tyr Ser Asn Asn Thr

1 5

<210> 11278

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11278

Pro Ala Ser Gln Ser Thr Thr

1 5

<210> 11279

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11279

Val Gln Val Gly His Pro Leu

1 5

<210> 11280

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11280

Asp Ala Ser Tyr Thr Gly Thr

1 5

<210> 11281

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11281

Gly Ile Thr Thr Glu Ala Arg

1 5

<210> 11282

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11282

Ser Met Pro Gln His Ala Ile

1 5

<210> 11283

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11283

Leu Gln Ser Ala Leu Gln Asn

1 5

<210> 11284

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11284

Lys Ser Ser Asp Ser Thr Ser

1 5

<210> 11285

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11285

Lys Ser Pro Ala Gly Ala Leu

1 5

<210> 11286

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11286

Thr Glu Met Ser Leu Thr Ser

1 5

<210> 11287

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11287

Leu Asn Ser Glu Thr Phe Pro

1 5

<210> 11288

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11288

Ser Ala Leu Ser Gln Gln Tyr

1 5

<210> 11289

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11289

Arg Ser Val Ala Asn Val Pro

1 5

<210> 11290

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11290

Ser Ser Gly Ala Thr Leu Gln

1 5

<210> 11291

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11291

Leu Asn Gly Gly Ala Ala Ser

1 5

<210> 11292

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11292

Ser His Gln Thr Thr Pro Thr

1 5

<210> 11293

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11293

Tyr Glu Asn Ser Ser Ser Leu

1 5

<210> 11294

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11294

Ile Gln Thr Ser Ala His Thr

1 5

<210> 11295

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11295

Arg Glu Ile Gln Lys Met Ser

1 5

<210> 11296

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11296

Ser Ala Gly Met Ile Ser His

1 5

<210> 11297

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11297

Met Arg Ser Thr Asp Ser Glu

1 5

<210> 11298

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11298

Ser His Pro Gln Gly Asp Ser

1 5

<210> 11299

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11299

Leu Ile Asp Thr Lys Ile Ser

1 5

<210> 11300

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11300

Thr His Leu Lys Asp Leu Leu

1 5

<210> 11301

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11301

Gly Thr Ser Ser Val Leu Ile

1 5

<210> 11302

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11302

Pro Leu Val Thr Asn Glu Pro

1 5

<210> 11303

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11303

Arg Asp Leu Ser His Asn Ser

1 5

<210> 11304

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11304

Tyr Asp Asn Glu His Arg Pro

1 5

<210> 11305

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11305

Val Gly Ser His Thr Met Thr

1 5

<210> 11306

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11306

Gly His Thr Ser Val Ser Leu

1 5

<210> 11307

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11307

Leu Asp Leu Lys Asn Gln Arg

1 5

<210> 11308

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11308

Pro Val Ala Lys Ile Thr Ser

1 5

<210> 11309

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11309

Leu Glu Asn Gly Lys Pro Lys

1 5

<210> 11310

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11310

Asp Leu Ala Arg Ala Thr Leu

1 5

<210> 11311

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11311

Lys Val Arg Asp Asp Lys Pro

1 5

<210> 11312

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11312

His Asn Val Ala Ile Thr Pro

1 5

<210> 11313

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11313

Thr Phe Asn Ala Thr Tyr Ala

1 5

<210> 11314

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11314

Gly Ser Gln Gly Thr Ile Arg

1 5

<210> 11315

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11315

Ser Leu Gly His Asp Ala Arg

1 5

<210> 11316

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11316

Arg Ser Gly Pro Asp Ser Ser

1 5

<210> 11317

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11317

Ala Met Asn Leu Gln Asn Leu

1 5

<210> 11318

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11318

Leu Arg Ala Gly Pro Gly Val

1 5

<210> 11319

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11319

Thr Val Met Ser Ser Ser Ser

1 5

<210> 11320

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11320

His Thr Ser Pro Val Gly Tyr

1 5

<210> 11321

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11321

Trp Thr Ser Gln Ala Thr Ala

1 5

<210> 11322

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11322

Thr Met Asn Ser Val Pro Arg

1 5

<210> 11323

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11323

Val Asn Gly Gly Met Val Asn

1 5

<210> 11324

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11324

Thr Asn Ala Arg Met Asn Thr

1 5

<210> 11325

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11325

Ile Ser Gly Asn Met His Ser

1 5

<210> 11326

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11326

Ser Val Gly Gly Ala Ser Phe

1 5

<210> 11327

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11327

Thr Ser Glu Ser Pro Tyr Lys

1 5

<210> 11328

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11328

Gly His Phe Gly Thr Met Ser

1 5

<210> 11329

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11329

Leu Thr Thr Ser Gly Leu Lys

1 5

<210> 11330

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11330

Arg Ile Asn Ser Ser Thr Tyr

1 5

<210> 11331

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11331

Leu Thr Gly Ser Ser Leu Thr

1 5

<210> 11332

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11332

Pro Ile Arg Gly Thr Ile Tyr

1 5

<210> 11333

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11333

Thr Thr Ser Asn Asn Thr His

1 5

<210> 11334

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11334

Gln Val Thr Thr Asn Leu Asp

1 5

<210> 11335

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11335

Ala Leu Asp Ser Ser Glu Pro

1 5

<210> 11336

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11336

Tyr Pro Lys Asn Val Ala Trp

1 5

<210> 11337

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11337

Ser Thr Thr Gly Arg Asn Leu

1 5

<210> 11338

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11338

Thr Lys Leu Met Gln Ser Asn

1 5

<210> 11339

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11339

Asn Ser Tyr Gly Asp Ala Ala

1 5

<210> 11340

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11340

Glu His Thr Gly Ala Pro Ala

1 5

<210> 11341

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11341

Leu Arg Thr Glu Thr Ala Asn

1 5

<210> 11342

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11342

Val Leu Asp Val Asn Thr Leu

1 5

<210> 11343

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11343

Asp Arg Gly Asn Asp Lys Leu

1 5

<210> 11344

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11344

Ser Phe Thr Asn Ser Thr His

1 5

<210> 11345

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11345

Leu Ala His Ser Ser Leu Ser

1 5

<210> 11346

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11346

Arg Leu Val Asp Pro Ile Pro

1 5

<210> 11347

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11347

Trp Gly Asp Lys Glu Thr Phe

1 5

<210> 11348

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11348

Arg Asp Asp Asn Leu Ser Thr

1 5

<210> 11349

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11349

Ser Lys Gln Leu Ile Asp Thr

1 5

<210> 11350

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11350

Phe Gln Asn Gln Thr Val Gly

1 5

<210> 11351

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11351

Val Phe Ser Ser Asp Ser Leu

1 5

<210> 11352

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11352

Tyr Ala Gln Gln Leu Pro Val

1 5

<210> 11353

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11353

Ile Val Thr Gly Thr Thr Gln

1 5

<210> 11354

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11354

Ser Lys Ile Thr Glu Ser Asn

1 5

<210> 11355

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11355

Ile Ala Gly Gln Val Gly Ala

1 5

<210> 11356

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11356

Gly Tyr Ser Gln Thr Pro His

1 5

<210> 11357

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11357

Gly Leu Ala Leu Arg Pro Asp

1 5

<210> 11358

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11358

Asn Ala Val Ser Asn Asn Thr

1 5

<210> 11359

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11359

Asn Gln Ser Thr Leu Pro Thr

1 5

<210> 11360

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11360

Thr Ser Ile Pro Asp Lys Pro

1 5

<210> 11361

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11361

Gly Ser Ser Thr Ala Ser Leu

1 5

<210> 11362

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11362

Arg Ile Ile Gly Thr Ala Thr

1 5

<210> 11363

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11363

Ser Leu Asn Gly Gly Arg Thr

1 5

<210> 11364

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11364

Pro Val Lys Thr Val Gly Ile

1 5

<210> 11365

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11365

Gln Pro Ser Ala Ile Pro Asn

1 5

<210> 11366

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11366

Phe Ala Ser Ser Val Ser Ala

1 5

<210> 11367

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11367

Glu Gly Asn Leu Thr Lys Leu

1 5

<210> 11368

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11368

Leu Gly Thr Arg Thr Thr Ser

1 5

<210> 11369

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11369

Thr His Arg Asp Phe Ser Pro

1 5

<210> 11370

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11370

Thr Gly Val Ser Thr Gly Val

1 5

<210> 11371

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11371

Val Pro Asn Asn Ser Gln Arg

1 5

<210> 11372

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11372

Met Pro Ser Gly Val Pro Val

1 5

<210> 11373

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11373

Asn Ala Leu Pro Arg Pro Asn

1 5

<210> 11374

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11374

Arg Thr Asp His Ser Gln Ile

1 5

<210> 11375

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11375

Gln Thr Leu Lys Ser Ala Tyr

1 5

<210> 11376

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11376

Lys Glu Glu His Thr Arg Gly

1 5

<210> 11377

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11377

Leu Pro Ala Ala Pro Arg Tyr

1 5

<210> 11378

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11378

Leu Asp Lys Ala His Phe Ala

1 5

<210> 11379

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11379

His Ala Ile Asp Ala Val Lys

1 5

<210> 11380

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11380

Pro Ile Leu Thr Ala Val Pro

1 5

<210> 11381

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11381

Thr Val Gln Gln Ser Ala Met

1 5

<210> 11382

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11382

Ser Glu Gly Ile Gly Gly Arg

1 5

<210> 11383

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11383

Met Gly Ser Thr Val Thr Arg

1 5

<210> 11384

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11384

Ser Val Arg Ser Pro Thr Lys

1 5

<210> 11385

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11385

Thr Thr Arg Asp Val Thr Thr

1 5

<210> 11386

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11386

Ser Ala Ala Gly Lys Thr Tyr

1 5

<210> 11387

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11387

Thr Thr Pro Ser Thr Val Arg

1 5

<210> 11388

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11388

Val Ala Leu Thr Thr Thr Val

1 5

<210> 11389

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11389

Asp Thr Gln Leu Pro Leu Ser

1 5

<210> 11390

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11390

Asn Ala Val Ser Asn Pro Leu

1 5

<210> 11391

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11391

Met Glu Leu Lys Tyr Gln Arg

1 5

<210> 11392

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11392

Asn Ser Leu His Gly His Ala

1 5

<210> 11393

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11393

His Ser Pro Ser Leu Ser Asp

1 5

<210> 11394

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11394

Gly Ser Val Thr Ser Leu Gly

1 5

<210> 11395

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11395

Arg Glu Val Ser Ser Thr Thr

1 5

<210> 11396

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11396

Gly Lys Ala Thr Leu Asp Thr

1 5

<210> 11397

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11397

Leu Asn Pro Pro Leu Asn Asn

1 5

<210> 11398

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11398

Thr Ser Gly His Ser Pro Ser

1 5

<210> 11399

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11399

Asp Val Thr Ala Thr Ala Pro

1 5

<210> 11400

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11400

His Gln Asn Thr Gly Ser Val

1 5

<210> 11401

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11401

Asp Leu Thr His Thr Phe Asp

1 5

<210> 11402

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11402

Tyr Leu Pro Asn Lys Glu Arg

1 5

<210> 11403

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11403

Val Asp Gly Thr Tyr Thr Val

1 5

<210> 11404

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11404

Tyr Leu Thr Ser Gly Gly Tyr

1 5

<210> 11405

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11405

Ala Ser Leu Val Val Val Ala

1 5

<210> 11406

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11406

Phe Asp Ala Asn Ser Lys Ile

1 5

<210> 11407

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11407

Tyr Leu Thr Glu Ser Pro Gly

1 5

<210> 11408

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11408

Arg Asn Ala Ser Leu Asp Pro

1 5

<210> 11409

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11409

Ala Gly Ser Pro Arg Ala Gly

1 5

<210> 11410

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11410

Arg Val Glu Lys Leu Thr Pro

1 5

<210> 11411

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11411

Arg Thr Thr Gly Asp Asn Thr

1 5

<210> 11412

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11412

Pro Ala Ala Thr Ser Gly Phe

1 5

<210> 11413

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11413

Ile Leu Thr Ile His Thr His

1 5

<210> 11414

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11414

Ile Asn Ile Ser Ser His Val

1 5

<210> 11415

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11415

Pro Ser Gly Ser Ala Arg Ser

1 5

<210> 11416

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11416

Ser Thr Met Pro Thr Arg Leu

1 5

<210> 11417

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11417

Leu Tyr Ala Ser Ala Gly Val

1 5

<210> 11418

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11418

Leu Val Gln Thr Gly Leu Leu

1 5

<210> 11419

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11419

Val Ser Leu Asn Arg Thr Glu

1 5

<210> 11420

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11420

Gly Gly Arg Glu Ser Ser Leu

1 5

<210> 11421

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11421

Val Glu Arg Met Pro Arg Met

1 5

<210> 11422

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11422

Pro Gln Ile Gly Ile Pro Asp

1 5

<210> 11423

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11423

Ala Thr Val Lys Ser Ser Thr

1 5

<210> 11424

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11424

Gly Gly Asn Val Gln Ala Ile

1 5

<210> 11425

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11425

Thr Ile Val Asn Val Thr Ser

1 5

<210> 11426

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11426

Gly Asp Pro Ala Gln Ser Ser

1 5

<210> 11427

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11427

Thr Lys Asn Thr Asp Phe Gln

1 5

<210> 11428

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11428

Arg His Thr Asp Ala Val Ile

1 5

<210> 11429

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11429

Ser Val His Thr Ala Val Arg

1 5

<210> 11430

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11430

Ile Thr Ser Leu Met Ser Gly

1 5

<210> 11431

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11431

Asp His Asn Gln Ile Ser Leu

1 5

<210> 11432

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11432

Gln Gly Gln Ser Ala Leu Lys

1 5

<210> 11433

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11433

Asn Asn Ala Thr Arg Tyr Thr

1 5

<210> 11434

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11434

Ser Arg Asn Thr Thr Ser Trp

1 5

<210> 11435

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11435

Pro Ser Asn Ser Lys Leu Ile

1 5

<210> 11436

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11436

Lys Thr Val Ser Leu Asn Asp

1 5

<210> 11437

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11437

Thr Pro Leu Pro Arg Val Ser

1 5

<210> 11438

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11438

Gln Thr Ile Ala Ser Ala Leu

1 5

<210> 11439

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11439

Pro Ile Met Lys Thr Thr Val

1 5

<210> 11440

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11440

Ser Ala Val Ile Gln Gly His

1 5

<210> 11441

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11441

Pro Leu Tyr Gly Thr Met Ser

1 5

<210> 11442

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11442

Ala Asn Arg Thr Lys Asp Tyr

1 5

<210> 11443

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11443

Val Ile Pro Gln Thr Glu Arg

1 5

<210> 11444

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11444

Ile Val Asn Gly His Ile Arg

1 5

<210> 11445

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11445

Ser Arg Pro Asn Glu Thr Thr

1 5

<210> 11446

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11446

Gly Tyr Thr Pro Val Ser Arg

1 5

<210> 11447

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11447

Pro Leu Gln Arg Thr Ile Gly

1 5

<210> 11448

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11448

Ser Thr Gly Ser Pro Thr Ile

1 5

<210> 11449

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11449

Ser Thr Met Thr Gly Leu Ile

1 5

<210> 11450

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11450

Ile His Ala Val Gly Ala Glu

1 5

<210> 11451

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11451

Thr Ala Asn Val Ser Glu Leu

1 5

<210> 11452

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11452

Asn Lys Ser Asp Met Pro His

1 5

<210> 11453

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11453

Ser Asn Tyr Asn Thr His Asp

1 5

<210> 11454

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11454

Pro Ser Val Thr His His Pro

1 5

<210> 11455

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11455

Asn Leu Ser Leu Lys Pro Leu

1 5

<210> 11456

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11456

Leu Tyr Ser Asn Lys Ser Asn

1 5

<210> 11457

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11457

Asp Asn Gly Leu Val His Arg

1 5

<210> 11458

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11458

Met Gly Thr Leu Thr Ile Ser

1 5

<210> 11459

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11459

Thr Phe Gln Ser Asp Glu Arg

1 5

<210> 11460

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11460

Ile Val Thr Gly Ala Tyr Arg

1 5

<210> 11461

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11461

Thr Val Val Asn Pro Ser Ser

1 5

<210> 11462

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11462

Asp Asn Asn Val Arg His Thr

1 5

<210> 11463

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11463

Asp Arg Ser Gln Asn Ser Leu

1 5

<210> 11464

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11464

His Pro Pro Val Pro Ala Ser

1 5

<210> 11465

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11465

Lys Tyr Ile Thr Pro Ser Ser

1 5

<210> 11466

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11466

Val Pro Asp Lys Gln Ala Met

1 5

<210> 11467

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11467

Val Ile Ala Lys Thr Glu Tyr

1 5

<210> 11468

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11468

Gly Gly Gln Ala Glu Ala Arg

1 5

<210> 11469

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11469

Gln Pro Val Leu Asn Gln Pro

1 5

<210> 11470

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11470

Asn Asn Thr Asn Glu Asn Leu

1 5

<210> 11471

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11471

Thr Asn Leu Ser Leu Ser Ser

1 5

<210> 11472

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11472

Gly Gln Ser Ser Asp Glu Arg

1 5

<210> 11473

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11473

Thr His Ala Thr Thr Phe Ala

1 5

<210> 11474

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11474

Thr Ser Gln Gln Asp Arg Ser

1 5

<210> 11475

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11475

Ala Leu Leu His Arg Glu Ala

1 5

<210> 11476

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11476

Asn Pro Ser Val Thr Ala Leu

1 5

<210> 11477

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11477

Val Ala Asn Leu Asn Ser Arg

1 5

<210> 11478

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11478

Thr Met Leu Leu Glu Pro Lys

1 5

<210> 11479

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11479

Asn Val Arg Pro Ser Thr Tyr

1 5

<210> 11480

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11480

Val Ile His Ile Thr Asn Thr

1 5

<210> 11481

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11481

Ser Asn Pro Ser Leu Leu Thr

1 5

<210> 11482

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11482

Tyr Gln Asp Asn Ala Arg Leu

1 5

<210> 11483

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11483

Ile Gln Gly Leu Thr Ser His

1 5

<210> 11484

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11484

Thr Tyr Asn Gln Gly Lys Gln

1 5

<210> 11485

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11485

Ala Pro Thr Gly Met Lys His

1 5

<210> 11486

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11486

Met Ser Gly Glu Leu Ile Arg

1 5

<210> 11487

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11487

Arg Leu Asn Thr Ser His Leu

1 5

<210> 11488

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11488

Ala Thr Ala Leu Ala Ala Gly

1 5

<210> 11489

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11489

Pro Ile Ser Gly Leu Lys Ser

1 5

<210> 11490

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11490

Glu Arg Thr Phe Asn Pro Ala

1 5

<210> 11491

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11491

Met Ser Asn Ile Ser Ser Val

1 5

<210> 11492

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11492

Arg Asp Ala Arg Leu Ser Pro

1 5

<210> 11493

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11493

Asp His Tyr Val Asn Thr Arg

1 5

<210> 11494

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11494

Pro Gly Thr Ala Val Arg Leu

1 5

<210> 11495

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11495

Asp Lys Gly Thr Leu Ser Glu

1 5

<210> 11496

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11496

Ser Ile Pro Arg Thr Asp Asn

1 5

<210> 11497

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11497

Glu Pro Val Leu His Thr Val

1 5

<210> 11498

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11498

Asp Arg Ala Ile Leu Asn Ser

1 5

<210> 11499

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11499

Glu Ile Gly Ser Leu Arg Gln

1 5

<210> 11500

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11500

Ala Phe Val Gly Ala Thr Pro

1 5

<210> 11501

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11501

Phe Val Gln Asn Lys Asp Ala

1 5

<210> 11502

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11502

Arg Asp Lys Ala Gly Pro Thr

1 5

<210> 11503

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11503

Leu Leu Pro Thr Ala His Asn

1 5

<210> 11504

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11504

Pro Asn Gly Ile Thr Ser Thr

1 5

<210> 11505

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11505

Ser Gly Val Thr Lys Gly Ser

1 5

<210> 11506

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11506

Met Asn Ser Thr Ile Ser His

1 5

<210> 11507

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11507

Tyr Lys Ser Asp Val Gly Ser

1 5

<210> 11508

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11508

Pro Val Thr Arg Val Asn Leu

1 5

<210> 11509

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11509

Arg Asn Val Ala Asp Gly Leu

1 5

<210> 11510

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11510

Ala Ser Ala Thr Ser Ile Thr

1 5

<210> 11511

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11511

Ser Gly Thr Ala Ser Asn Val

1 5

<210> 11512

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11512

Arg Gln Asp Leu Gly Ser Thr

1 5

<210> 11513

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11513

Asp Ser Ala Leu Ile Ser Lys

1 5

<210> 11514

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11514

Asn Asn Gly Leu Asn Ser Ala

1 5

<210> 11515

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11515

Ala Ala Ser Glu Arg Arg Met

1 5

<210> 11516

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11516

Arg His Ser Ala Val Pro Glu

1 5

<210> 11517

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11517

Tyr Gln Asp Thr Lys Gly Gln

1 5

<210> 11518

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11518

Lys Thr Gly Ser Leu Pro Val

1 5

<210> 11519

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11519

Ile Ala Arg Ser Val Ser Met

1 5

<210> 11520

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11520

Pro Ser Ser Lys Leu Pro Leu

1 5

<210> 11521

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11521

Ile Asn Asp Gln Arg Ile Ser

1 5

<210> 11522

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11522

Gly Ile Ser Glu Lys Thr Ser

1 5

<210> 11523

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11523

Thr Ser Ala Tyr Thr Ser Val

1 5

<210> 11524

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11524

Gly Thr Leu His Ser Ser Ala

1 5

<210> 11525

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11525

Ala Pro Arg Asp Ala Ala Ser

1 5

<210> 11526

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11526

Asn Asn Thr Ala Met Ser Leu

1 5

<210> 11527

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11527

Ile Leu Arg Val Ala Asp Ala

1 5

<210> 11528

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11528

Ala Ser Val Ala Gly Ala Ser

1 5

<210> 11529

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11529

Ser Val Leu Asn Gly Ser Lys

1 5

<210> 11530

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11530

Ile Tyr Gln Thr Ala Ser Ala

1 5

<210> 11531

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11531

Thr Ser Glu Arg Thr Gln Phe

1 5

<210> 11532

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11532

Ser Thr Val Ala Leu Thr Ser

1 5

<210> 11533

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11533

Gly Asn Thr Val Ile Asn Ala

1 5

<210> 11534

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11534

Pro Leu Gly Ser Ile Val Thr

1 5

<210> 11535

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11535

Leu Arg Met Ser Asp Ser Phe

1 5

<210> 11536

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11536

Thr Ser Glu Ser Gly Thr Leu

1 5

<210> 11537

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11537

Glu Ala Thr Arg Pro Val Arg

1 5

<210> 11538

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11538

Asn Lys Gln Phe Leu Ala Asp

1 5

<210> 11539

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11539

Leu Thr Ile Arg Asp Asn Val

1 5

<210> 11540

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11540

Val Gly Ser Gly Leu Ala Lys

1 5

<210> 11541

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11541

Gln Asn Ala Thr Asn Leu Met

1 5

<210> 11542

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11542

Ser Met Tyr Ala Gly His Glu

1 5

<210> 11543

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11543

Met Val Asn Ser Glu Lys Ala

1 5

<210> 11544

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11544

Arg Met Ser Met Arg Ser Asp

1 5

<210> 11545

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11545

Ser Ser Ser Gly Leu Asn Lys

1 5

<210> 11546

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11546

Gln Ser Ser Val Leu Thr Pro

1 5

<210> 11547

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11547

Thr Pro Asn Leu Glu Thr Ser

1 5

<210> 11548

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11548

Met Arg Gly Thr Leu Ser Met

1 5

<210> 11549

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11549

Asp His Gly Ala Ser Leu Pro

1 5

<210> 11550

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11550

Ser His Leu Ala Thr Pro Lys

1 5

<210> 11551

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11551

Ser Asp Ala Ser His Arg Gln

1 5

<210> 11552

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11552

Thr Gly Thr Glu Arg Leu Ser

1 5

<210> 11553

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11553

Ala Val Gly His Val Gly Pro

1 5

<210> 11554

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11554

Gln Ser Gln Gln Gly Val Lys

1 5

<210> 11555

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11555

Asn Leu Thr Ile Ser Asn Arg

1 5

<210> 11556

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11556

Val Ser Ser Gly Tyr Glu Thr

1 5

<210> 11557

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11557

Ser Ile Ser Pro Pro Arg Thr

1 5

<210> 11558

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11558

Pro Tyr Asn Gln Ser Pro Ser

1 5

<210> 11559

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11559

Thr Met Ser Tyr Asn Thr Asn

1 5

<210> 11560

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11560

Gly Ala Tyr Asn Thr Val Ser

1 5

<210> 11561

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11561

Ser Lys Val Thr Pro Pro Leu

1 5

<210> 11562

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11562

Arg Phe Arg Glu Asn Asp His

1 5

<210> 11563

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11563

Leu Asp Thr Gly Gln Pro Thr

1 5

<210> 11564

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11564

Leu Pro Ser Thr Pro Gln Asn

1 5

<210> 11565

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11565

Thr Leu Ser Tyr Val Thr Ser

1 5

<210> 11566

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11566

Ser Thr Thr Val Leu Pro Val

1 5

<210> 11567

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11567

Met Thr His Thr Leu Leu Ser

1 5

<210> 11568

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11568

Ser Thr Tyr Asn Lys Thr Phe

1 5

<210> 11569

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11569

Ala Thr Ser Ser His Thr Leu

1 5

<210> 11570

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11570

Arg Leu Asn Gly Thr Glu Pro

1 5

<210> 11571

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11571

Gln Ala Asn Thr Pro Thr Lys

1 5

<210> 11572

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11572

Ser Ala Val Ile Asn Ser Ser

1 5

<210> 11573

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11573

Asn His Gly Asn Glu Val Lys

1 5

<210> 11574

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11574

Lys His Leu Ser His Asp Pro

1 5

<210> 11575

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11575

Leu Gly Ser Gly Arg Met Ala

1 5

<210> 11576

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11576

Ser Asn Gln Ile Thr Ile Val

1 5

<210> 11577

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11577

Gly Gly Arg Gly Val Gly Met

1 5

<210> 11578

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11578

Phe Val Thr Glu Ser Lys Ser

1 5

<210> 11579

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11579

Asn Ser Val His Asn Asp Leu

1 5

<210> 11580

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11580

Ser Pro Gln Gln Ser Arg Tyr

1 5

<210> 11581

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11581

Thr Gln Pro Asn His Asp Ser

1 5

<210> 11582

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11582

Thr Arg Leu Asn Glu Val Thr

1 5

<210> 11583

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11583

Thr Ala Gln Arg Thr Asn Val

1 5

<210> 11584

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11584

Pro Gly Arg Ser Pro Thr Thr

1 5

<210> 11585

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11585

Ala Tyr Ser Val Val Arg Gly

1 5

<210> 11586

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11586

Val Gly Pro Val Leu Ser Arg

1 5

<210> 11587

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11587

Thr Lys Met Gly Thr Pro Asn

1 5

<210> 11588

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11588

Thr Thr Pro Asn Leu Asn Pro

1 5

<210> 11589

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11589

Thr Ser Gly Thr Asp Gly Ile

1 5

<210> 11590

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11590

Pro Met Pro Asn Met Pro Ser

1 5

<210> 11591

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11591

Ala Asp Ala Leu Ser Asn Arg

1 5

<210> 11592

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11592

Leu Gln Thr Ser Ser His Thr

1 5

<210> 11593

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11593

Thr Ser Met Gln Gly Val Tyr

1 5

<210> 11594

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11594

Gln Thr Thr Val Leu Asn Lys

1 5

<210> 11595

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11595

Ile Ile Pro Val Asn Ser Thr

1 5

<210> 11596

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11596

Ile Ala Thr Val Thr Ser Ser

1 5

<210> 11597

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11597

Leu Glu Thr Pro Gly Arg Met

1 5

<210> 11598

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11598

Ile Ala Thr Ser Val Gly Ser

1 5

<210> 11599

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11599

Val Arg Glu His Glu Ala Leu

1 5

<210> 11600

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11600

Pro Leu Thr Asn Val Gln Gly

1 5

<210> 11601

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11601

Arg Asp Met Val Gln Thr Met

1 5

<210> 11602

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11602

Arg Leu Gly Phe Ala Thr Asn

1 5

<210> 11603

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11603

Met Ser Gln Val Thr Thr Glu

1 5

<210> 11604

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11604

Ser Val Leu Pro Asn Ala Ile

1 5

<210> 11605

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11605

Lys Phe Ser Pro Thr Leu Ala

1 5

<210> 11606

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11606

Asn Ile Gly Asn Met Val Leu

1 5

<210> 11607

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11607

Ser Leu Leu Thr Val Leu Ser

1 5

<210> 11608

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11608

Asn Ser Asn Pro Ser Met Leu

1 5

<210> 11609

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11609

Ile Thr Ala Ala Val Arg Asp

1 5

<210> 11610

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11610

Ala Tyr Thr Ser Asn Asp Arg

1 5

<210> 11611

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11611

Asn Ser Val Gly Ser Met Lys

1 5

<210> 11612

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11612

Arg Leu Asp Thr Thr Trp Val

1 5

<210> 11613

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11613

Ile Ala Glu Ala Gly Gly Arg

1 5

<210> 11614

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11614

Ser Lys Thr Asn Leu Gln Leu

1 5

<210> 11615

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11615

Phe Ser Lys Asp Asp Ala Val

1 5

<210> 11616

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11616

Leu Thr Ser His Ser Leu Thr

1 5

<210> 11617

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11617

His Val Gln Leu Gln Tyr Pro

1 5

<210> 11618

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11618

Asn His Asn Gln Pro Ser Ala

1 5

<210> 11619

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11619

Thr Glu Gly Ala Arg Ser Leu

1 5

<210> 11620

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11620

Asn Gln Ser Asp Ser Lys Val

1 5

<210> 11621

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11621

Val Ser Leu Pro Leu Ala Pro

1 5

<210> 11622

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11622

Asn Asn Thr Asn Leu Ser Arg

1 5

<210> 11623

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11623

Tyr Ser Asn Ser Asn Asn His

1 5

<210> 11624

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11624

Gly Leu Glu Thr Arg Leu His

1 5

<210> 11625

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11625

Leu Thr Thr Thr Glu Ser Lys

1 5

<210> 11626

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11626

Met Gly Ala Arg Met Pro Leu

1 5

<210> 11627

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11627

Ser His Asp His Met Leu Ile

1 5

<210> 11628

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11628

Arg Thr Glu Gly Ser Asp Asn

1 5

<210> 11629

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11629

Asn Phe Gln Arg Asp Gly Pro

1 5

<210> 11630

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11630

Leu Ser Asn Ile Asn Pro His

1 5

<210> 11631

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11631

Ser Ser Asn His Thr Ser Arg

1 5

<210> 11632

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11632

Met His Val Asn Ala Ser Pro

1 5

<210> 11633

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11633

Trp Asp Ser Leu Ala Ala Pro

1 5

<210> 11634

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11634

Leu Asp Gly Ala His Asn Ala

1 5

<210> 11635

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11635

Ser Ile Arg Ser Pro Pro Pro

1 5

<210> 11636

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11636

Asn Gly Thr Leu Lys Gly Leu

1 5

<210> 11637

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11637

Phe Tyr Gln Glu Gln Ser Leu

1 5

<210> 11638

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11638

Tyr Asp Gln Lys Ser Leu Ala

1 5

<210> 11639

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11639

Leu Ser Thr Asn Arg Thr Phe

1 5

<210> 11640

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11640

Lys Gln Thr Gln Asp Ser Ser

1 5

<210> 11641

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11641

Tyr Glu Arg Gly Pro Gln Met

1 5

<210> 11642

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11642

Thr His Ala Asn Ser Val Arg

1 5

<210> 11643

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11643

Ser Met Asn Thr Asn Ala Ser

1 5

<210> 11644

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11644

Leu Asp Asn Glu Lys Gly Arg

1 5

<210> 11645

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11645

Leu Gly Gln Leu Leu Gln Ser

1 5

<210> 11646

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11646

Met Arg Met Pro Val Asn Met

1 5

<210> 11647

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11647

Gly Thr Ser Asn Leu Pro Ser

1 5

<210> 11648

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11648

Glu Gly Glu Met Lys Ser Pro

1 5

<210> 11649

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11649

Gln Leu Gly His Asp Asn Arg

1 5

<210> 11650

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11650

Leu Asp Asp Ser Ala Gly Arg

1 5

<210> 11651

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11651

Thr Gly Ala Gly Asn Gly Arg

1 5

<210> 11652

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11652

Asn Thr Gly Ala Ala Met Met

1 5

<210> 11653

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11653

Met Gly Ala Asn Thr Ser Val

1 5

<210> 11654

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11654

Pro Ser Thr His Gly Gly Ser

1 5

<210> 11655

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11655

Met Pro Gln Ser Gln Pro Asn

1 5

<210> 11656

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11656

Ser Thr Gln Ala Arg Leu Thr

1 5

<210> 11657

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11657

Ser Glu Tyr Leu Leu Asn Pro

1 5

<210> 11658

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11658

Thr Thr Gly Pro Gly Leu Asn

1 5

<210> 11659

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11659

Pro Gly Ser Ser Val Ser Tyr

1 5

<210> 11660

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11660

Tyr Phe Gly Ser Ala Gln Glu

1 5

<210> 11661

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11661

Ala Val Ile Asn Asn Ala Thr

1 5

<210> 11662

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11662

Val Ala Met Gln Asp Lys Lys

1 5

<210> 11663

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11663

Ala Asp Asn Met Asn Ile Lys

1 5

<210> 11664

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11664

Gly Arg Ala Thr Thr Asp Ser

1 5

<210> 11665

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11665

Met Asn Leu His Leu Lys Gly

1 5

<210> 11666

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11666

Ser Asn Gln Ile Arg Asp Ser

1 5

<210> 11667

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11667

Val Asn Gly Gln Ser Thr Pro

1 5

<210> 11668

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11668

Ile Leu Pro Gln Leu Asn Ser

1 5

<210> 11669

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11669

Val Gln Asp Ser Leu His Phe

1 5

<210> 11670

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11670

Asp Val Ser Asn Arg Asn Asn

1 5

<210> 11671

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11671

Asp Ala Ser His Gly Ser Ser

1 5

<210> 11672

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11672

Arg Ala Ser Ala His Pro Pro

1 5

<210> 11673

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11673

Pro Ser Leu Arg Ala Leu Asp

1 5

<210> 11674

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11674

Asp Lys Thr Pro Pro Val Ala

1 5

<210> 11675

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11675

Leu Asn Asp Val Thr Thr Arg

1 5

<210> 11676

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11676

Gly Ala Ser Asn Ala Gln Ala

1 5

<210> 11677

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11677

Asn Gly Ser Arg Asp Ala Leu

1 5

<210> 11678

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11678

Tyr Gly Val Glu Arg Met Ser

1 5

<210> 11679

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11679

Ala Lys Val Ala Ser Ser Phe

1 5

<210> 11680

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11680

His Lys Gln Ile Leu Leu Asp

1 5

<210> 11681

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11681

Asp Arg Ala Asn Asp Arg Ile

1 5

<210> 11682

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11682

Lys Met Ser Thr Thr Met Leu

1 5

<210> 11683

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11683

Gly Gly Glu Asn Gly Val Ile

1 5

<210> 11684

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11684

Val Thr Gln Thr Leu Ile Ser

1 5

<210> 11685

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11685

Leu Tyr Thr Lys Ala Leu Ile

1 5

<210> 11686

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11686

Thr Leu Pro Gly His Asn Arg

1 5

<210> 11687

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11687

Ser Lys Ser Gly Leu Val Gly

1 5

<210> 11688

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11688

Leu Thr Leu Lys Asp Thr Ser

1 5

<210> 11689

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11689

Trp Asn Gly Thr Gly Val Ser

1 5

<210> 11690

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11690

Leu Val Gln Asn Asn Thr Met

1 5

<210> 11691

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11691

Leu Ala Asp Arg Gly Ser Ala

1 5

<210> 11692

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11692

Leu Ala Ser Thr Gly Ala Asn

1 5

<210> 11693

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11693

Leu Gly Arg Asn Asp Thr Leu

1 5

<210> 11694

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11694

Arg Ser Thr Asn Gly Glu Ala

1 5

<210> 11695

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11695

Gly Ala Thr Tyr Gln Arg Thr

1 5

<210> 11696

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11696

Gly Lys Ser Gln Leu Leu Met

1 5

<210> 11697

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11697

Asn Thr Ala Thr Phe Ser Ser

1 5

<210> 11698

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11698

Tyr Ser Thr Thr Ile Ser Pro

1 5

<210> 11699

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11699

Pro Arg His Ser Val Gln Asp

1 5

<210> 11700

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11700

Asn Asn Asn Thr Lys Met Asn

1 5

<210> 11701

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11701

Leu Thr Gly His His Thr Lys

1 5

<210> 11702

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11702

Asn Val Ser Ser Gly Gln Arg

1 5

<210> 11703

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11703

Ser Leu Gln Asp Ala Arg Leu

1 5

<210> 11704

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11704

Leu Asn Arg Asp Gly Ser Val

1 5

<210> 11705

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11705

Asn Ser Thr Glu Asn Ser Thr

1 5

<210> 11706

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11706

Ser Leu Val Ala Gln Pro Val

1 5

<210> 11707

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11707

His Ala Ala Thr Val Ser His

1 5

<210> 11708

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11708

Asn Val Ser Gly Ala Arg Leu

1 5

<210> 11709

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11709

Arg Ala Asp Lys Phe Asp Tyr

1 5

<210> 11710

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11710

Ser Gln Pro Asp Val Thr Tyr

1 5

<210> 11711

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11711

Val Leu Thr Gln Gln Thr His

1 5

<210> 11712

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11712

Thr Asp Asn Ser Thr Thr Arg

1 5

<210> 11713

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11713

Tyr Asn Thr Arg Tyr Asp Ala

1 5

<210> 11714

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11714

Ser Ala Asn Asp Ala Arg Val

1 5

<210> 11715

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11715

Ile Leu Thr Pro Asp Leu Arg

1 5

<210> 11716

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11716

Pro Asn Val Gly Ala Ser Ser

1 5

<210> 11717

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11717

Leu Ser Ala Ser His Thr Ile

1 5

<210> 11718

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11718

Thr Lys Val Leu Ile Glu Lys

1 5

<210> 11719

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11719

Met Asn Thr Leu Ile Pro Ala

1 5

<210> 11720

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11720

Ser Ser Asn Val Val Thr Thr

1 5

<210> 11721

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11721

Met Asn Val Arg Pro Thr Thr

1 5

<210> 11722

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11722

Asp Thr Gly Leu Asn Asn Arg

1 5

<210> 11723

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11723

Thr Leu Asn Arg Asp His Met

1 5

<210> 11724

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11724

Leu Leu Leu Ser His His Ala

1 5

<210> 11725

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11725

Asn Pro Ala Met Ala Thr Phe

1 5

<210> 11726

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11726

Ile Ser Gln Arg Ile Tyr Ala

1 5

<210> 11727

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11727

Thr Thr Gly Val Ala Gly Ser

1 5

<210> 11728

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11728

Phe Gly Thr Phe Pro Thr Pro

1 5

<210> 11729

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11729

Arg Gly Ser Asp Phe Asp Ser

1 5

<210> 11730

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11730

Ser Lys Ala Ser Leu Asp Ser

1 5

<210> 11731

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11731

Leu Leu Asn Ser His Ser Ala

1 5

<210> 11732

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11732

Ala Ser Ile His Lys Asp Ile

1 5

<210> 11733

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11733

Ser Asp Pro Gly Lys Phe Met

1 5

<210> 11734

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11734

Gly Thr Ser Ser Ala Gln Arg

1 5

<210> 11735

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11735

Ser Thr Asn Ser Lys Leu Glu

1 5

<210> 11736

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11736

Asn Leu Gln Thr Val Pro Asn

1 5

<210> 11737

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11737

Val Val Thr His Leu Asn Ala

1 5

<210> 11738

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11738

Leu Ser Thr Ser Asn Asn Phe

1 5

<210> 11739

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11739

Asn Asn Ser Gly His Ile Ser

1 5

<210> 11740

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11740

Ala Tyr Gln Val Asn Ser Asp

1 5

<210> 11741

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11741

Gln Gln Asn Tyr Leu Asn His

1 5

<210> 11742

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11742

Phe Ala Thr Thr Asn Thr Gly

1 5

<210> 11743

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11743

Leu Ala Asn Lys Ile Ala Asn

1 5

<210> 11744

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11744

Gln Ser Phe Gln Arg Glu Val

1 5

<210> 11745

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11745

Leu His Ile Ser Glu Pro Arg

1 5

<210> 11746

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11746

Arg Val Gly Glu Arg Glu Gln

1 5

<210> 11747

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11747

Val Asn Ile Ile Gln Ala Ser

1 5

<210> 11748

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11748

Gly Val Gly Leu His Asn Lys

1 5

<210> 11749

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11749

Asn Asn Pro Ala Ile Pro Ile

1 5

<210> 11750

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11750

Arg Leu Ser Ser Gln Ala Val

1 5

<210> 11751

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11751

His Ser Asn Glu Leu Arg Pro

1 5

<210> 11752

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11752

Ser Leu Gly Pro Thr Thr Asn

1 5

<210> 11753

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11753

Gly Asn Gln Thr Asn Arg Ser

1 5

<210> 11754

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11754

Ser Asn Pro Val Gly Asn Pro

1 5

<210> 11755

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11755

Gln Val Pro Pro Leu Val Pro

1 5

<210> 11756

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11756

Leu Ser Thr Pro Pro Thr Gln

1 5

<210> 11757

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11757

Val Gly Thr Glu Pro Leu Ser

1 5

<210> 11758

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11758

Arg Pro Asp Ala Thr Ser His

1 5

<210> 11759

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11759

Val Glu Lys Gln Met Leu Asn

1 5

<210> 11760

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11760

Phe Lys Ser Ala Gln Ala Thr

1 5

<210> 11761

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11761

Trp Ala Leu Ser Thr Asp Gly

1 5

<210> 11762

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11762

Leu Ala Gly Leu Ala Thr Asn

1 5

<210> 11763

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11763

Thr Leu Thr Ala Gly Thr Pro

1 5

<210> 11764

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11764

Ile Pro Val Thr Ser Arg Met

1 5

<210> 11765

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11765

Gly Thr Asp Tyr Pro Arg Ser

1 5

<210> 11766

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11766

Val Thr Glu His Ser Lys Leu

1 5

<210> 11767

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11767

Asn Met Ser Met Pro Val Lys

1 5

<210> 11768

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11768

Ser Val Gly Val Gly Met Ser

1 5

<210> 11769

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11769

Pro Arg Thr Asp Asn Glu Gly

1 5

<210> 11770

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11770

Phe Ser Asn Pro Asp Arg Thr

1 5

<210> 11771

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11771

Met His Leu Val Pro Thr Thr

1 5

<210> 11772

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11772

Asn Ala Pro Pro Val Ser Ser

1 5

<210> 11773

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11773

Ser Asn Leu Pro Thr Leu Ala

1 5

<210> 11774

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11774

Ile Met Gln Gly Met Thr Thr

1 5

<210> 11775

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11775

Ser Arg Glu Thr Thr Ser Pro

1 5

<210> 11776

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11776

Asn Pro Thr Ser Phe Ser Thr

1 5

<210> 11777

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11777

Asn Leu Gln His Gly Ser Thr

1 5

<210> 11778

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11778

Asn Phe His Ser Gly His Thr

1 5

<210> 11779

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11779

Thr Glu Ser Val Tyr Ala Arg

1 5

<210> 11780

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11780

Thr Lys Ser Glu Ile Pro Asn

1 5

<210> 11781

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11781

Thr Ser Leu Ala Asp Met Arg

1 5

<210> 11782

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11782

Arg Leu Lys Ala Asp Ile Thr

1 5

<210> 11783

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11783

Leu Asn Met Asn Val Leu Ala

1 5

<210> 11784

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11784

Ser Leu Arg Pro Ile Ser Val

1 5

<210> 11785

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11785

Leu Ser Val Gln Leu Val Glu

1 5

<210> 11786

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11786

Ser Phe Glu Gly Val Leu Pro

1 5

<210> 11787

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11787

Ile Ile Val Gly Leu Gln Pro

1 5

<210> 11788

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11788

Val Ser Ser Tyr Glu Arg Leu

1 5

<210> 11789

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11789

Arg Thr Asn Asp Ala Ile Val

1 5

<210> 11790

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11790

Phe Ser Glu His Arg Glu Leu

1 5

<210> 11791

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11791

Lys Glu Ala Thr Ala Asn Thr

1 5

<210> 11792

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11792

Leu Arg Ala Ser Ile Thr Val

1 5

<210> 11793

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11793

Trp Leu Gly Ile Thr Glu Ala

1 5

<210> 11794

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11794

Ser Ser Gln Lys Ala Ala Glu

1 5

<210> 11795

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11795

Gly Ser Thr Pro Gly Leu Ala

1 5

<210> 11796

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11796

Lys Gly Asn Ala Asn Asp Leu

1 5

<210> 11797

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11797

Thr Ser Ala Pro Leu Lys Leu

1 5

<210> 11798

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11798

Pro Val Gln Thr Asn Gly His

1 5

<210> 11799

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11799

Arg Pro Ala Val Asp Ser Ala

1 5

<210> 11800

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11800

Thr Thr Leu Ser Gln Asn Arg

1 5

<210> 11801

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11801

Val Met Thr Val Gly Ser Leu

1 5

<210> 11802

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11802

Ala Leu Asn Lys Glu Asn Trp

1 5

<210> 11803

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11803

His His His Leu Thr Gly Asn

1 5

<210> 11804

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11804

Gly Met Arg Thr Val Asn Ile

1 5

<210> 11805

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11805

Thr Leu Asn Ser Ser Val Ala

1 5

<210> 11806

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11806

Ser Ala Ser Thr Ile Leu Val

1 5

<210> 11807

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11807

Glu Met Ile Arg Pro Arg Ala

1 5

<210> 11808

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11808

Met Ser Ala Ala Ser Tyr Lys

1 5

<210> 11809

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11809

His Phe Thr Thr Gly Ser Val

1 5

<210> 11810

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11810

Ala Ser His Thr Ile Gly Leu

1 5

<210> 11811

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11811

Ser Arg Glu His Gln Leu Tyr

1 5

<210> 11812

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11812

Ala Gly Thr Thr Ala Pro Leu

1 5

<210> 11813

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11813

Gly Lys Val Ser Gly Ala Met

1 5

<210> 11814

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11814

Lys Leu Ser Gly Met Ser Val

1 5

<210> 11815

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11815

Val Leu Pro Lys Asp Asp Ala

1 5

<210> 11816

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11816

Leu Ala Gly Ile Leu Thr Thr

1 5

<210> 11817

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11817

Val Val Pro Gly Ala Gln Thr

1 5

<210> 11818

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11818

Gly Gln His Ser Tyr Ala His

1 5

<210> 11819

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11819

His His Leu Ser Thr Ser Ile

1 5

<210> 11820

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11820

Thr Leu Ile Pro Pro Asn Pro

1 5

<210> 11821

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11821

Glu Met His Asn Pro Arg Ala

1 5

<210> 11822

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11822

Ile Glu Asn Pro Pro Arg Gly

1 5

<210> 11823

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11823

Gly Gln Phe Ser Asp Ala Arg

1 5

<210> 11824

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11824

Ala Glu Ala Ser Ala Ser Arg

1 5

<210> 11825

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11825

Leu Val Lys Gly Asp Ala Arg

1 5

<210> 11826

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11826

Gln Gly His Thr His Gly Asn

1 5

<210> 11827

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11827

Gln Lys Pro Thr Ser Thr Phe

1 5

<210> 11828

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11828

Lys Leu Ala Ala Leu Gly Ala

1 5

<210> 11829

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11829

Ser Ser Val Asp Gln Met Lys

1 5

<210> 11830

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11830

Gly Ile Val Thr Ala Pro Leu

1 5

<210> 11831

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11831

Leu Leu Lys Met Pro Ser Pro

1 5

<210> 11832

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11832

Asn Val Ala His Thr Val Arg

1 5

<210> 11833

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11833

Leu Met Ser Thr Asn Val Ser

1 5

<210> 11834

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11834

Leu Ser Asn Asn Asn Ala Leu

1 5

<210> 11835

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11835

Leu Leu Ile Gly Pro Thr Gly

1 5

<210> 11836

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11836

Val Arg Asn Thr Met Ile Ser

1 5

<210> 11837

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11837

Gly Ala Thr Gly His Leu Thr

1 5

<210> 11838

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11838

Met Thr Val Gly Asn Leu Gly

1 5

<210> 11839

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11839

Ser Asn Gly Leu Asn Gly Leu

1 5

<210> 11840

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11840

Arg Asn Glu Asn Glu Ser Arg

1 5

<210> 11841

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11841

Gly Asn Ala Arg Asp Ala Ser

1 5

<210> 11842

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11842

Ile Ser Lys Leu Leu Leu Ser

1 5

<210> 11843

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11843

Asn Asp Thr Thr Asn Met Ser

1 5

<210> 11844

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11844

Gly Leu Glu Ala Asn Lys Ser

1 5

<210> 11845

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11845

His Tyr Ser Thr Val Gly Val

1 5

<210> 11846

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11846

Pro Thr Ile Ser Val Leu Pro

1 5

<210> 11847

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11847

Val Gln Thr Ile Gly His Glu

1 5

<210> 11848

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11848

Lys Pro Glu Thr Ala Ser Asp

1 5

<210> 11849

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11849

Thr Asn Thr Pro Thr Ser Arg

1 5

<210> 11850

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11850

Ser Leu Thr Leu Ser Ser His

1 5

<210> 11851

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11851

His Tyr His Ser Ile Gln Ala

1 5

<210> 11852

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11852

Tyr His Gly Glu Asn Glu Arg

1 5

<210> 11853

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11853

Leu Pro His Thr Ala Arg Val

1 5

<210> 11854

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11854

Thr Arg Glu Gly Ser Thr Gly

1 5

<210> 11855

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11855

Val Asp Arg Arg Ala Met Leu

1 5

<210> 11856

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11856

Thr Ser Val Ser Ala Val Met

1 5

<210> 11857

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11857

Ser Gln Lys Leu Thr Glu Lys

1 5

<210> 11858

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11858

Arg Leu Pro Ser Leu Ser Val

1 5

<210> 11859

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11859

Ser Val Ser Glu Gly Ser Arg

1 5

<210> 11860

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11860

Ser Ile Pro Ser Val Ser Ala

1 5

<210> 11861

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11861

Thr Thr Asn Asn Ala Lys Ser

1 5

<210> 11862

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11862

Ala Ser Gly Glu Ala Ser Thr

1 5

<210> 11863

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11863

Asp Asn Asn Ser Ser Ile Ala

1 5

<210> 11864

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11864

Val His Asp Asn Ser Lys Leu

1 5

<210> 11865

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11865

Ser Thr Leu Ala Gly Ser Glu

1 5

<210> 11866

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11866

Pro Glu Lys Ser His Ser Ser

1 5

<210> 11867

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11867

Gln Met Leu Arg Ala Ser Val

1 5

<210> 11868

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11868

Ala Leu Ser Asn Asn Ile Thr

1 5

<210> 11869

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11869

Ser Leu Ala Asn Gln Leu Pro

1 5

<210> 11870

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11870

Glu Gln Ser Arg Leu Gln Thr

1 5

<210> 11871

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11871

Asn Leu Ser Gln Asn Val Met

1 5

<210> 11872

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11872

Ser His Lys Leu Ser Ser Ser

1 5

<210> 11873

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11873

Pro Thr Asn Thr Lys Thr Ala

1 5

<210> 11874

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11874

Met Asn Pro Ala Thr Val Ala

1 5

<210> 11875

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11875

Lys Ile Glu Arg Thr Asn Phe

1 5

<210> 11876

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11876

Thr Ser Pro Thr Tyr Lys Leu

1 5

<210> 11877

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11877

Arg Ser Asp His Ile Asp Tyr

1 5

<210> 11878

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11878

Thr Leu Gly Leu Asn Thr Asn

1 5

<210> 11879

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11879

Pro Leu Ser Asn His Gly Thr

1 5

<210> 11880

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11880

Ala Val Ser Arg Leu Pro Met

1 5

<210> 11881

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11881

Leu Leu Thr Glu Ser Lys Met

1 5

<210> 11882

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11882

His Met Arg Thr Asp Thr Ala

1 5

<210> 11883

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11883

Ser Leu Thr Val Asn Ala Ala

1 5

<210> 11884

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11884

Asn Pro Asn Gly Val Thr Val

1 5

<210> 11885

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11885

Thr Thr Lys Leu Pro Thr Leu

1 5

<210> 11886

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11886

Asn Ser Thr Ser Lys Gln Leu

1 5

<210> 11887

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11887

Thr Leu Gly Ser Ser Asn Thr

1 5

<210> 11888

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11888

Pro Arg Ala Thr Asp Pro Gln

1 5

<210> 11889

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11889

Ser Leu Leu Asn Lys Thr Thr

1 5

<210> 11890

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11890

Gln Lys Ser Asp Gly Ser Pro

1 5

<210> 11891

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11891

Thr Val Ser Gly Phe Thr Lys

1 5

<210> 11892

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11892

Thr Val Leu Val Lys Ser Thr

1 5

<210> 11893

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11893

Gly Ala His Ile Ser Asn Pro

1 5

<210> 11894

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11894

Glu Pro Ser Ile Pro Arg Pro

1 5

<210> 11895

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11895

Gly Thr Val Gln Ala Arg Gln

1 5

<210> 11896

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11896

Asn Asn His Asn Tyr Val Asp

1 5

<210> 11897

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11897

Arg Thr Ala Ser Val Ser Leu

1 5

<210> 11898

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11898

Ile Ser Met Asp Asn His Arg

1 5

<210> 11899

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11899

Ser Asp Gly His Asn His Ser

1 5

<210> 11900

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11900

Ser Ala Gly Ser Gly Ile Gly

1 5

<210> 11901

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11901

Lys Ala Thr Leu Ser Glu Lys

1 5

<210> 11902

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11902

Ile His Ala Gly Gly Gln Arg

1 5

<210> 11903

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11903

Leu Thr Pro Ser Ser Ala Asn

1 5

<210> 11904

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11904

Asp Gly Lys Ala Tyr Asn His

1 5

<210> 11905

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11905

Trp Ser Ala Gln Thr Met Asn

1 5

<210> 11906

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11906

Asn Ser Thr Arg Ile Ile Val

1 5

<210> 11907

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11907

Lys Asn Ser Ser Met Leu Leu

1 5

<210> 11908

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11908

Arg Gln Val Ser Gly Thr Ser

1 5

<210> 11909

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11909

Pro Val Thr Gly Asn Ser Asp

1 5

<210> 11910

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11910

Met Tyr Pro Asp Arg His Ser

1 5

<210> 11911

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11911

Thr Tyr Gln Ile Gly Ala Val

1 5

<210> 11912

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11912

Lys Thr Gly Ser Leu Ser Ala

1 5

<210> 11913

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11913

Ile Ile Pro Ala Ser Ser Pro

1 5

<210> 11914

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11914

Asp Asn Gln Gly Thr Lys His

1 5

<210> 11915

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11915

Ser Tyr Lys Glu Ser Pro Ser

1 5

<210> 11916

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11916

Ala Ile Ile Ser Asn Asn Arg

1 5

<210> 11917

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11917

Thr Asp Gln Ile Arg Thr Tyr

1 5

<210> 11918

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11918

His Ser Ala Thr Asn Ile Asp

1 5

<210> 11919

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11919

Gly Thr Val Asn Ile Ser Ala

1 5

<210> 11920

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11920

Ala Val Val Pro Ala Met Gln

1 5

<210> 11921

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11921

Ile Pro Arg Ser Asp Pro Ser

1 5

<210> 11922

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11922

Thr Lys Tyr Thr Leu Gln Ser

1 5

<210> 11923

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11923

Ser Leu Arg Glu Thr Ser Ile

1 5

<210> 11924

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11924

Glu Gly Asp Asn Lys Arg Leu

1 5

<210> 11925

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11925

Ile Val Ser Ser Thr Ser Ser

1 5

<210> 11926

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11926

Leu Val Asn Ser Gly Ala His

1 5

<210> 11927

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11927

Arg Thr Ser Asp Asn Gln Thr

1 5

<210> 11928

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11928

Pro Asp Gly Lys Ser Leu Ala

1 5

<210> 11929

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11929

His Lys Asn Met Leu Glu Thr

1 5

<210> 11930

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11930

Leu Ser Pro Gly Val Thr Ala

1 5

<210> 11931

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11931

Thr Asn His Thr Arg Asn Thr

1 5

<210> 11932

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11932

Leu Gly Asp Ser Glu Arg Asn

1 5

<210> 11933

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11933

Leu Leu Lys Ile Glu Gln Met

1 5

<210> 11934

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11934

Ser His Leu Lys Glu His Pro

1 5

<210> 11935

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11935

Pro Ile Asp Asn Arg Gln Tyr

1 5

<210> 11936

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11936

Asp Met His Ser Gly Val Lys

1 5

<210> 11937

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11937

Pro Ser Ser Pro Ile Pro Asn

1 5

<210> 11938

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11938

Leu Ser Ser Thr Leu Asp Asp

1 5

<210> 11939

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11939

Pro Asn Thr Ala His Ser Ser

1 5

<210> 11940

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11940

Ala Thr Arg Val Asp Val Ile

1 5

<210> 11941

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11941

Ser Thr Asn Val Thr Thr Val

1 5

<210> 11942

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11942

Tyr Gly Asn Asn Ser Phe Ser

1 5

<210> 11943

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11943

Pro Thr Ala Lys Pro Met Tyr

1 5

<210> 11944

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11944

Leu Pro Asn Leu Pro Thr Ile

1 5

<210> 11945

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11945

Thr Arg Leu Pro Asn Ile Ser

1 5

<210> 11946

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11946

His Lys His Ser Thr Gln Gly

1 5

<210> 11947

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11947

Asn Gly Thr Asn Gly Phe Thr

1 5

<210> 11948

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11948

Ser Thr Asp Ala Ile Arg Phe

1 5

<210> 11949

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11949

Leu Val Arg Asp His Thr Ala

1 5

<210> 11950

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11950

Ile Ser Leu Gly Tyr Ser Lys

1 5

<210> 11951

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11951

Leu Phe Gly Ser Ser His Thr

1 5

<210> 11952

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11952

Ser Thr Ile Thr Pro Arg Leu

1 5

<210> 11953

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11953

Gln Ile Thr Asn Gly Leu Arg

1 5

<210> 11954

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11954

Thr Thr Glu Tyr Asn Ile Arg

1 5

<210> 11955

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11955

Thr Asp Leu Gly Arg Gly Thr

1 5

<210> 11956

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11956

Glu Arg Ser Pro Thr Ile Leu

1 5

<210> 11957

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11957

His Gly Asp Ser Ala Arg Thr

1 5

<210> 11958

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11958

Leu Ser Val Pro Asn Gln Gln

1 5

<210> 11959

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11959

Ser Asp Gly Pro Val Pro Arg

1 5

<210> 11960

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11960

Asn Met Asn His Ile Ala Ser

1 5

<210> 11961

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11961

Val Pro Asn Ser Pro Gln Arg

1 5

<210> 11962

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11962

Asp Arg Met Ala Ser Ser Arg

1 5

<210> 11963

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11963

Leu Leu Ser Asn Ser Ser Gln

1 5

<210> 11964

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11964

Glu Thr Ala Val Leu Asn His

1 5

<210> 11965

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11965

Glu Gln Arg Thr Pro Ser Pro

1 5

<210> 11966

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11966

Gln His Leu Asn Gly Ser Ile

1 5

<210> 11967

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11967

Ser Val Leu Gln Val Glu Gly

1 5

<210> 11968

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11968

Phe Leu Ser Gly Thr Thr Lys

1 5

<210> 11969

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11969

Gly Asn Pro Asn Asp Arg Gln

1 5

<210> 11970

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11970

Thr Asp Lys Ala Val Gln Ile

1 5

<210> 11971

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11971

Glu Lys Tyr Thr Gly Ser Pro

1 5

<210> 11972

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11972

Leu Ala Gly Ser Arg Asn Leu

1 5

<210> 11973

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11973

Met Ile Pro Ser Thr Asn Phe

1 5

<210> 11974

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11974

Pro Leu Thr Gly Ser Ser Ala

1 5

<210> 11975

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11975

Ser Val Ser Asn Ala Phe Ser

1 5

<210> 11976

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11976

Gln Gly Gly Gln Ala Leu Arg

1 5

<210> 11977

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11977

His Pro Gly Gln Thr Leu Ser

1 5

<210> 11978

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11978

Lys Glu Tyr Asn Thr Tyr Ser

1 5

<210> 11979

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11979

Thr His Thr Ala Gln Pro Ser

1 5

<210> 11980

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11980

Met Thr Pro Gln Val Pro Arg

1 5

<210> 11981

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11981

Thr Arg Val Ser Ser Leu Ala

1 5

<210> 11982

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11982

His Ala Asp Leu Lys Ile Val

1 5

<210> 11983

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11983

Asn Arg Asn Thr Asp Thr Val

1 5

<210> 11984

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11984

Ala His Lys Asp Asn His Leu

1 5

<210> 11985

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11985

Ser Val Pro Val Pro Ala Ala

1 5

<210> 11986

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11986

Gln Thr Asn Ser Ala Leu Met

1 5

<210> 11987

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11987

Leu Gly Arg Asp Thr Ala Tyr

1 5

<210> 11988

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11988

Ser Ser Val Ala Leu Val Val

1 5

<210> 11989

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11989

Met Asn Ala Ala Thr Thr Gln

1 5

<210> 11990

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11990

Met Val Ser Thr Ala Lys Asp

1 5

<210> 11991

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11991

Leu Gly Gln Met Tyr Ser Pro

1 5

<210> 11992

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11992

Asp Ser Lys Glu Lys Pro Asn

1 5

<210> 11993

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11993

Ser Pro Pro Val Gln Gly Leu

1 5

<210> 11994

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11994

Thr Ala Ser Asp Arg Leu Pro

1 5

<210> 11995

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11995

Ile Tyr Ser Pro Thr Thr Val

1 5

<210> 11996

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11996

Ser Gln Ser Lys Glu Leu Arg

1 5

<210> 11997

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11997

Gly Ala Leu Asn Gly Gly Val

1 5

<210> 11998

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11998

Thr Ile Ile Asn Ser Ser Lys

1 5

<210> 11999

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 11999

Pro Val Ser Ala Gln Pro Val

1 5

<210> 12000

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12000

Ser Asn Glu Ala Val Thr Asn

1 5

<210> 12001

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12001

Ala Ser Met Gln Met Asn Arg

1 5

<210> 12002

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12002

Ser Val Gly Lys Ser Glu Leu

1 5

<210> 12003

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12003

Ser Gln Val Asn Pro Ser Ser

1 5

<210> 12004

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12004

Ile Thr Thr Asp Gln Pro Phe

1 5

<210> 12005

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12005

Asn Asn Gly Ser Gly Ser Tyr

1 5

<210> 12006

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12006

Thr Leu Ala Arg Ser Ser Val

1 5

<210> 12007

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12007

Asn Ala Ser Thr Met Thr Arg

1 5

<210> 12008

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12008

Thr Asn Gln Val Arg Tyr Val

1 5

<210> 12009

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12009

Ser Thr Gln Ser Pro Asn Arg

1 5

<210> 12010

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12010

Asp Thr Gly Ala Arg Gly Leu

1 5

<210> 12011

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12011

Pro Gly Ser His Val Val Ala

1 5

<210> 12012

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12012

Ala Asn Gly Ile Glu Thr Lys

1 5

<210> 12013

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12013

Ala His Gly Gln Val Gln Glu

1 5

<210> 12014

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12014

Ala Leu Ser His Asp Leu Ser

1 5

<210> 12015

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12015

Leu Gly Ser Ser Leu Thr Ala

1 5

<210> 12016

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12016

Gly Asn Asn Thr Ala Lys Leu

1 5

<210> 12017

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12017

Asn Tyr Ala Gln Ser Ala Leu

1 5

<210> 12018

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12018

Asp Ser Gln Ser Lys Thr Phe

1 5

<210> 12019

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12019

Thr Asn His Val Lys Phe Thr

1 5

<210> 12020

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12020

Ser Thr Pro Thr His Gly Leu

1 5

<210> 12021

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12021

Ser Val Gly Leu Thr Met Val

1 5

<210> 12022

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12022

Ile Pro Lys Gly Ser Gly Ala

1 5

<210> 12023

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12023

Thr Ala Gln Ala Arg Val Leu

1 5

<210> 12024

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12024

Trp His Ala Gly Ser Val Gly

1 5

<210> 12025

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12025

Ser Gln Ser Leu Leu Val Glu

1 5

<210> 12026

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12026

Asn Asn Ser Gly Pro Leu Lys

1 5

<210> 12027

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12027

Arg Asp Asn Ala Ile Glu His

1 5

<210> 12028

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12028

Thr Met Ser Asn Ile Thr Arg

1 5

<210> 12029

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12029

Leu Ser Thr Leu Ser Gln Met

1 5

<210> 12030

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12030

Val Met Gln Asn Tyr Gly Ser

1 5

<210> 12031

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12031

Thr His Ser Ala Gln Gln Asn

1 5

<210> 12032

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12032

Ser Val Pro Pro Asn Arg Asn

1 5

<210> 12033

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12033

Ser Val Ala Ala Ser Pro Arg

1 5

<210> 12034

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12034

Asn Asn Thr Ser Thr Leu His

1 5

<210> 12035

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12035

Asn Leu Ser Asp His Met Pro

1 5

<210> 12036

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12036

Gly Leu Tyr Ala Thr Thr Ser

1 5

<210> 12037

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12037

Arg Asn Gly Gly Ala Asn Val

1 5

<210> 12038

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12038

Phe His Asn Leu Thr Leu Ser

1 5

<210> 12039

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12039

Trp Lys Ser Pro Ala Ala Ile

1 5

<210> 12040

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12040

Pro Lys Gly Leu Ser Gly Glu

1 5

<210> 12041

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12041

Ser His Tyr Gln Leu His Pro

1 5

<210> 12042

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12042

Thr Thr Phe Arg Ser Ala Pro

1 5

<210> 12043

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12043

Tyr Asp Ala Thr His Ser Ala

1 5

<210> 12044

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12044

Asn Gln Ser Gly Pro Leu Lys

1 5

<210> 12045

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12045

His Thr Asn Met Thr Ser Met

1 5

<210> 12046

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12046

His Met Lys Ser Gln Leu Pro

1 5

<210> 12047

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12047

Lys Leu Pro Thr Met Ala Asn

1 5

<210> 12048

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12048

Val Gly Thr Asn Ala Asn His

1 5

<210> 12049

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12049

Leu Lys Thr Asp Pro Phe Leu

1 5

<210> 12050

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12050

His Leu Gln Gln Asn Leu Thr

1 5

<210> 12051

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12051

Thr Gln Asn Lys Asn Ser His

1 5

<210> 12052

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12052

Pro Asn Ala Gln Ser Gln Arg

1 5

<210> 12053

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12053

Gly Ser Gly His Ser Thr Leu

1 5

<210> 12054

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12054

Leu Thr Gly Arg Leu Glu Lys

1 5

<210> 12055

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12055

Pro Ser Arg Asn Ala Ser Leu

1 5

<210> 12056

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12056

Val Phe Arg Thr Ser Asp Leu

1 5

<210> 12057

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12057

Ile Ala Ser Thr Tyr Ser Ser

1 5

<210> 12058

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12058

Thr Ile Asn His Ala Thr Ser

1 5

<210> 12059

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12059

Ala Met Asn Asn Arg Ala His

1 5

<210> 12060

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12060

Ser His His Glu Gln Val Ser

1 5

<210> 12061

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12061

Ser Gly Val Thr Ser Lys Leu

1 5

<210> 12062

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12062

Val Phe Thr Asn Asp Val Pro

1 5

<210> 12063

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12063

Ala Ala Val Leu Val Ala Pro

1 5

<210> 12064

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12064

Pro Thr Ala Gly Arg Tyr Leu

1 5

<210> 12065

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12065

His Leu Asn Ser Gln Asn Met

1 5

<210> 12066

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12066

Pro Asn Pro Asn Val Gly Arg

1 5

<210> 12067

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12067

Ala Ser Glu Asn Leu Arg Ser

1 5

<210> 12068

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12068

Asn Ser Pro Met Arg Thr Ala

1 5

<210> 12069

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12069

Val Ala Gly Thr Asn Gln Pro

1 5

<210> 12070

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12070

Gly Ser Glu Ser Ser Met Arg

1 5

<210> 12071

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12071

Thr Leu Ala Ser Ala Ser Arg

1 5

<210> 12072

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12072

Ile Ser Gln Ser Trp Thr Ala

1 5

<210> 12073

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12073

Ser Gly Asp Ser Arg Ser Thr

1 5

<210> 12074

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12074

Pro Asn Ile Lys Thr Asp Leu

1 5

<210> 12075

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12075

Trp Gln Ala Thr Asp Thr Ala

1 5

<210> 12076

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12076

Asn Asn Asn Val Val Thr Tyr

1 5

<210> 12077

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12077

Lys Ala Ile Ser Thr Ala Asn

1 5

<210> 12078

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12078

Arg Gln Glu Val Ser Gly Asn

1 5

<210> 12079

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12079

Trp Gln Asp Leu Asn Val Val

1 5

<210> 12080

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12080

Ser Arg Ser Asp Asn Pro Leu

1 5

<210> 12081

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12081

Ile Gly Ser Ser Thr Lys Pro

1 5

<210> 12082

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12082

Ser Pro Ile Ile Asn Thr Ser

1 5

<210> 12083

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12083

Asp Lys Asp Thr Ala Ala Pro

1 5

<210> 12084

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12084

Ser Lys Val Asp Ser Ser Tyr

1 5

<210> 12085

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12085

Thr Leu Thr Arg Gly Thr Pro

1 5

<210> 12086

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12086

Thr Arg Thr Ser Pro Ile Gln

1 5

<210> 12087

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12087

Leu Thr Ser Ala Thr Thr Asn

1 5

<210> 12088

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12088

Thr Ile Asn Ile His Ser Ala

1 5

<210> 12089

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12089

Ser Phe Ser Pro Glu Asn Arg

1 5

<210> 12090

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12090

Gly Met Ala Leu Gly Thr Gly

1 5

<210> 12091

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12091

Tyr Asn Gly Thr Gln Gly Arg

1 5

<210> 12092

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12092

Asn Lys Leu Leu Glu His Pro

1 5

<210> 12093

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12093

Tyr Val Asn Asn Val Ala Pro

1 5

<210> 12094

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12094

Tyr Ser Val Val His Asp Lys

1 5

<210> 12095

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12095

Gly Leu Glu Thr Arg His Met

1 5

<210> 12096

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12096

Ala Pro Asn Leu Met Ala Asp

1 5

<210> 12097

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12097

Asn Ser Asn Gly Met Ala Pro

1 5

<210> 12098

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12098

Ser Leu Asn Tyr Ser Gln Asn

1 5

<210> 12099

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12099

Thr Glu Tyr Ala Asn Gly Arg

1 5

<210> 12100

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12100

Pro Leu Gly His Val Arg Ser

1 5

<210> 12101

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12101

Leu Arg Asp Ser Pro Gly Leu

1 5

<210> 12102

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12102

Val Ile Arg Ser Asn Thr His

1 5

<210> 12103

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12103

Ala Ser Val Ser Asn Leu Ser

1 5

<210> 12104

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12104

Trp Ala Gln Arg Thr Ser Gln

1 5

<210> 12105

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12105

Asn Asp Lys Gly Met Ser Arg

1 5

<210> 12106

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12106

Gln Asn Asp Thr Arg Asn Tyr

1 5

<210> 12107

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12107

Gly Glu Val Ala Gly Arg Leu

1 5

<210> 12108

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12108

Thr Thr Thr Asn Thr Val Ser

1 5

<210> 12109

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12109

Pro Val Met Ser Asn Lys Asp

1 5

<210> 12110

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12110

Asn Gly Gly Thr Thr Phe Ile

1 5

<210> 12111

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12111

Val Leu Lys Thr Thr Ala Ile

1 5

<210> 12112

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12112

Pro His Gly Val Gly Ser Ala

1 5

<210> 12113

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12113

Ser Asn Ala His Pro Leu Ala

1 5

<210> 12114

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12114

Lys Ser Thr Ser Leu Asp Pro

1 5

<210> 12115

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12115

Phe Asn Lys Thr Asn Asp Met

1 5

<210> 12116

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12116

His Gln Thr Ser Glu Leu Arg

1 5

<210> 12117

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12117

Trp Ala Lys Val Leu Asp Lys

1 5

<210> 12118

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12118

Met Ser Ser Asn Asn Lys Ser

1 5

<210> 12119

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12119

Asp Gly Thr His Leu Lys Leu

1 5

<210> 12120

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12120

Thr Val Ile Ser Asp Gln Arg

1 5

<210> 12121

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12121

Met His Ser Gln Leu Leu Pro

1 5

<210> 12122

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12122

Ser Ser Tyr Gly Thr Ala Ala

1 5

<210> 12123

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12123

Val Leu Ser Thr Met Ala Val

1 5

<210> 12124

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12124

Ser Ala Ser Asn Phe Ala Ser

1 5

<210> 12125

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12125

Ser Lys Ala Gly Leu Ser Asp

1 5

<210> 12126

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12126

Ile Asn Arg Ile Val Ser Gly

1 5

<210> 12127

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12127

Lys Leu Asp Thr Pro Gly Lys

1 5

<210> 12128

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12128

Met Asp Arg Ile Val Lys Met

1 5

<210> 12129

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12129

Arg Glu Arg Ser Thr Asp Ala

1 5

<210> 12130

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12130

Leu Arg Asp Ser Thr Gly His

1 5

<210> 12131

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12131

Met Arg Gly Gln Gly Val His

1 5

<210> 12132

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12132

Ser Ala Gln Met Ile Ser Pro

1 5

<210> 12133

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12133

Trp Thr Asn Gly Val Ala Lys

1 5

<210> 12134

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12134

Thr Ala Ile Ser Ile Gln Val

1 5

<210> 12135

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12135

Pro Ser Gly Ser Gln Ser His

1 5

<210> 12136

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12136

Asn Arg Leu Thr Pro Gly Ser

1 5

<210> 12137

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12137

Ile Ala Leu Glu His Arg Asn

1 5

<210> 12138

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12138

Pro Ala Arg Thr Pro Pro Gln

1 5

<210> 12139

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12139

Met Gly Lys Ser Asn Gly Val

1 5

<210> 12140

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12140

Pro Ile Val Arg Ser Thr Ser

1 5

<210> 12141

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12141

Val Thr Gln Leu Ser Pro Arg

1 5

<210> 12142

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12142

Lys Ala Leu Leu Pro Leu Thr

1 5

<210> 12143

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12143

Ser Gly Asn Ser Arg Leu Gln

1 5

<210> 12144

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12144

Arg Asn Gln Ser Ala Pro Leu

1 5

<210> 12145

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12145

Asn Leu Gln Asn Met Ile Gln

1 5

<210> 12146

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12146

Ser Ser Tyr Asp Lys Ser Leu

1 5

<210> 12147

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12147

Val Leu Ala Asn Gln Gln Ile

1 5

<210> 12148

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12148

Arg Thr Thr Asn Glu Pro Thr

1 5

<210> 12149

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12149

Ile Val Ser Asn Gln Met Ser

1 5

<210> 12150

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12150

Asn Ala Thr His Ala Asn Val

1 5

<210> 12151

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12151

Lys Gly Asn Glu Pro Leu Arg

1 5

<210> 12152

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12152

Leu Gly Thr Tyr Leu Ser Pro

1 5

<210> 12153

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12153

Thr Asn Val Leu Pro Leu Pro

1 5

<210> 12154

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12154

Lys Leu Ser His Glu Pro Ser

1 5

<210> 12155

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12155

Phe Asp Lys Gln Asn Pro Thr

1 5

<210> 12156

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12156

Phe Gly Gly Arg Tyr Glu Lys

1 5

<210> 12157

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12157

Thr Val Gln Asn His Thr Asn

1 5

<210> 12158

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12158

Pro Leu Lys Pro Met Gln Thr

1 5

<210> 12159

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12159

Gln Gly Glu Thr Asn His Arg

1 5

<210> 12160

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12160

Ala His Ser Asn Met Val Asn

1 5

<210> 12161

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12161

Val Ser Ala Ser Ser Asn Lys

1 5

<210> 12162

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12162

Thr Asn Gln Ser Lys Asn Phe

1 5

<210> 12163

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12163

Lys Met Lys Asp Met Ser Ile

1 5

<210> 12164

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12164

His Pro Ser Gly Ser Thr Leu

1 5

<210> 12165

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12165

Ile Lys Asp Thr Val Ser Gly

1 5

<210> 12166

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12166

Met Asn Thr Leu Thr Asn Val

1 5

<210> 12167

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12167

Thr Asp Ser Ala Pro His Pro

1 5

<210> 12168

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12168

Pro Arg Pro Val Ser Asn Gly

1 5

<210> 12169

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12169

Ser Val Asp Arg Arg Pro Gln

1 5

<210> 12170

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12170

Met Asp Ser Pro Ile Arg Asn

1 5

<210> 12171

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12171

Ala Thr Arg Met Ser Ile Pro

1 5

<210> 12172

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12172

Asn Val Pro Thr Ser Leu Pro

1 5

<210> 12173

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12173

Ser Leu Arg Ile Glu Ser Lys

1 5

<210> 12174

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12174

Asn Ser Gly Asn Thr Leu Gly

1 5

<210> 12175

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12175

Arg Leu Asp His Ala Ser Ile

1 5

<210> 12176

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12176

Ser His Leu Val Val Ser Ala

1 5

<210> 12177

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12177

Pro Ala Ser Pro Arg Ser His

1 5

<210> 12178

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12178

Asn His Thr Leu Val Pro Pro

1 5

<210> 12179

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12179

Met Gln Met Thr Gly Thr Ala

1 5

<210> 12180

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12180

Asn Thr Gln Ala Asn Pro Arg

1 5

<210> 12181

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12181

Thr Arg Asp Leu Asn Ala Ile

1 5

<210> 12182

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12182

Thr Asp Ala Ser Ser Pro Phe

1 5

<210> 12183

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12183

Ala Asp Gln Arg Gln Pro Lys

1 5

<210> 12184

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12184

Ala Val Asn Pro Asn Tyr Ala

1 5

<210> 12185

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12185

Leu Thr Ala Thr Asn Val Arg

1 5

<210> 12186

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12186

Leu Thr Ala Ser Thr Tyr Ser

1 5

<210> 12187

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12187

Gly Ser Arg Asp Asn Ser Val

1 5

<210> 12188

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12188

Thr Asp Thr Gln Asn Arg Leu

1 5

<210> 12189

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12189

Asn Ser Thr Val Asn Thr Gly

1 5

<210> 12190

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12190

Leu Ser His Ala Met Arg Ser

1 5

<210> 12191

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12191

Arg Leu Pro Met Thr Thr Met

1 5

<210> 12192

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12192

Leu Tyr His Glu Ser Gln Thr

1 5

<210> 12193

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12193

Ile Leu His Gln Ser Ser Thr

1 5

<210> 12194

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12194

Thr Ser Leu Ala Thr Gln Thr

1 5

<210> 12195

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12195

Arg Thr Pro Thr Leu Thr Val

1 5

<210> 12196

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12196

Ala Thr Arg Glu Ser Arg Thr

1 5

<210> 12197

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12197

Leu Ser Glu Ser Leu Arg Ile

1 5

<210> 12198

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12198

Ser Val Thr Gly Gly Met Val

1 5

<210> 12199

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12199

Pro Arg Thr Ser Asp Ser Asn

1 5

<210> 12200

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12200

Val His Ser Thr Val Thr Ser

1 5

<210> 12201

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12201

Gly Thr Asn Met Asn His Leu

1 5

<210> 12202

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12202

Met Lys Ala Glu Leu Tyr Ala

1 5

<210> 12203

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12203

Leu Arg Ser Pro Ser Val Asp

1 5

<210> 12204

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12204

Thr Asn Ser Pro Gln Phe Pro

1 5

<210> 12205

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12205

Asn Asn Ser Leu Arg Ser Asn

1 5

<210> 12206

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12206

Asp Ser His Met Gly Lys Tyr

1 5

<210> 12207

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12207

Val Asn Ser Met Thr Pro Arg

1 5

<210> 12208

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12208

Leu Ala Pro Ile Ser Leu Asn

1 5

<210> 12209

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12209

Asn Met Pro Ser Ile Met Gln

1 5

<210> 12210

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12210

Gly Asn Met Ile Lys Val Ala

1 5

<210> 12211

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12211

Thr Gly Val Ser Leu Gln Val

1 5

<210> 12212

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12212

Pro Gln Phe Asn Thr Ala Ser

1 5

<210> 12213

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12213

Thr Glu Ala Tyr Arg Asn Thr

1 5

<210> 12214

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12214

Leu Met Lys Ala Asp Thr Val

1 5

<210> 12215

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12215

Asn His Lys Glu Phe Met Leu

1 5

<210> 12216

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12216

Leu Asn Gly Thr Leu Thr Val

1 5

<210> 12217

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12217

Thr Ala Lys Ile Leu Thr Met

1 5

<210> 12218

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12218

Leu Arg Asp Ser Leu Pro Val

1 5

<210> 12219

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12219

Leu Lys Gly Gly Asp Ser Trp

1 5

<210> 12220

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12220

Lys Thr Val Asp Ile Met Gly

1 5

<210> 12221

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12221

Leu Asn Met Gly Gln Met Lys

1 5

<210> 12222

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12222

Ser Val Pro Ser Leu Asp Arg

1 5

<210> 12223

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12223

Gln Leu Leu Gly Thr Ser Lys

1 5

<210> 12224

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12224

Met Asn Pro Lys His Gly Leu

1 5

<210> 12225

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12225

Ser Pro Glu Gly Ser Leu Lys

1 5

<210> 12226

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12226

Ala Asn Met Pro Asn Ser Arg

1 5

<210> 12227

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12227

Ala Tyr Ile Ser Ser Gly Val

1 5

<210> 12228

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12228

Glu Arg Gly Ser Gln Ala Asn

1 5

<210> 12229

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12229

Gly His Asp Arg Leu Ser Pro

1 5

<210> 12230

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12230

Thr Ser Asn Val Thr Gly Thr

1 5

<210> 12231

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12231

Leu Thr His Asn Val Gly Val

1 5

<210> 12232

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12232

Arg Glu Asp Gly Val Ala Lys

1 5

<210> 12233

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12233

Pro Ala Asp Gly Tyr Lys Leu

1 5

<210> 12234

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12234

Gln Leu Asp Ala Thr Arg Ala

1 5

<210> 12235

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12235

Val Thr Gly Met Thr Thr Arg

1 5

<210> 12236

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12236

Ser Asp Ser Arg Thr Tyr Glu

1 5

<210> 12237

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12237

Val Glu Pro Leu Lys Pro Asp

1 5

<210> 12238

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12238

Gly Val Leu Ala Ser Asn Arg

1 5

<210> 12239

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12239

Met Gly Glu Arg Met Ser Ile

1 5

<210> 12240

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12240

Phe Thr Lys Thr Glu Asp Leu

1 5

<210> 12241

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12241

Val Lys Asn Thr Glu Leu Leu

1 5

<210> 12242

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12242

Thr Val Thr Ser Thr Val Val

1 5

<210> 12243

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12243

Ala Lys Tyr Gly Asp Pro Thr

1 5

<210> 12244

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12244

Thr Ser Asp Arg Leu Leu Gly

1 5

<210> 12245

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12245

Ala Val Gly Asn Thr Lys Met

1 5

<210> 12246

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12246

Gln Thr Tyr Asn Lys Met Asp

1 5

<210> 12247

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12247

Ala Trp Ala Ser Gln Ser Ser

1 5

<210> 12248

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12248

Asn Ala Phe Leu Thr Gly Gly

1 5

<210> 12249

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12249

Ser Ile Gly Asp Lys Tyr Thr

1 5

<210> 12250

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12250

Ser Asn His His His Thr Gly

1 5

<210> 12251

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12251

Ile Thr Asn Lys Pro Met Thr

1 5

<210> 12252

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12252

Leu Ser Gly Gln Val Ser Asn

1 5

<210> 12253

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12253

Asn Ser Met Ser Gly His Leu

1 5

<210> 12254

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12254

Pro Ala Val His Gly Tyr Ala

1 5

<210> 12255

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12255

Leu Met Arg Thr Lys Gln Pro

1 5

<210> 12256

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12256

Ser Ser Leu Ala Val Asn Lys

1 5

<210> 12257

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12257

Asn Thr Gln Ser Glu Pro Arg

1 5

<210> 12258

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12258

Asp His Leu Val Ser Val Pro

1 5

<210> 12259

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12259

Trp Ala Thr Ser Thr His Asp

1 5

<210> 12260

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12260

Pro Gln Gln Gln Pro Ile Gly

1 5

<210> 12261

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12261

Ser Leu Ser Thr His Ser Asp

1 5

<210> 12262

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12262

Gly Ser Met Ala Ala Arg Ser

1 5

<210> 12263

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12263

Ala Pro Gly Met Thr Ala Arg

1 5

<210> 12264

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12264

Val Leu Ala Asn Met Thr Ala

1 5

<210> 12265

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12265

Leu Thr Lys Gln Glu Ser Ala

1 5

<210> 12266

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12266

Gly Ala Asn Ser Gly Gly Val

1 5

<210> 12267

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12267

Gln Ser Glu Pro Lys Arg Pro

1 5

<210> 12268

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12268

Val His Gly Glu Arg Ser Val

1 5

<210> 12269

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12269

Ala His Gln Thr Ala Ala Ser

1 5

<210> 12270

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12270

Val Arg Glu Met Gln Thr Ala

1 5

<210> 12271

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12271

Val Ala Pro Ser Ala Leu His

1 5

<210> 12272

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12272

Ser Val Gly His His Asn Met

1 5

<210> 12273

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12273

Phe Leu Thr Gln Gly Asp Val

1 5

<210> 12274

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12274

Phe Ser Thr Gln Phe Gln His

1 5

<210> 12275

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12275

Gln Asn Thr Thr Arg Ser Asn

1 5

<210> 12276

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12276

Pro Ala Val Thr Ser Ile Ala

1 5

<210> 12277

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12277

Ala Ser Thr Asn Thr Tyr Val

1 5

<210> 12278

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12278

Ser Thr Ala Thr Pro Thr Ser

1 5

<210> 12279

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12279

His Phe Asn Arg Thr Ser Pro

1 5

<210> 12280

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12280

Ser Val Ala Gly Met Leu Pro

1 5

<210> 12281

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12281

Pro Met Ser Ser Glu Ser Ser

1 5

<210> 12282

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12282

Ser Leu Ala Ser Thr Thr Val

1 5

<210> 12283

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12283

Thr Ser Thr Pro Ala Gln Val

1 5

<210> 12284

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12284

Ser Leu Thr Ala Gln Gln Pro

1 5

<210> 12285

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12285

Ser Gly Arg Val Pro Val Ala

1 5

<210> 12286

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12286

Leu Asp Ala Ala Lys Ser Leu

1 5

<210> 12287

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12287

Asn Phe Ala Asn Lys Asn Val

1 5

<210> 12288

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12288

Gly Pro Ala Ser Val Thr Pro

1 5

<210> 12289

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12289

Tyr Ser Arg Glu Ala Thr Asn

1 5

<210> 12290

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12290

Thr Gly Ser Ser Phe Ala Met

1 5

<210> 12291

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12291

Gly Ile Lys Gly Asp Pro Val

1 5

<210> 12292

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12292

Val Thr Ser Thr Ser His Ala

1 5

<210> 12293

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12293

Thr Ser Gln Asn Asn Leu Arg

1 5

<210> 12294

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12294

Met Arg Gln Glu Gly Leu Ser

1 5

<210> 12295

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12295

Leu Asn Leu Asn Ala Ile Ala

1 5

<210> 12296

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12296

Ser Lys Asn Glu Gly Pro Thr

1 5

<210> 12297

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12297

Asp Ser Arg Ser Thr Thr Asn

1 5

<210> 12298

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12298

Ser Thr Gly Asp Ala Leu Arg

1 5

<210> 12299

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12299

Ile Asn Lys Pro Gly Thr Pro

1 5

<210> 12300

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12300

Val Ser Ala Pro Leu Asn Ile

1 5

<210> 12301

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12301

Val Ser Leu Gly Ser Leu Ala

1 5

<210> 12302

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12302

Leu Asn His Ile Asn Glu Lys

1 5

<210> 12303

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12303

Lys Ser Val Thr Ile Leu Ser

1 5

<210> 12304

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12304

Ser Asn Val Ser Ser Leu Val

1 5

<210> 12305

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12305

Phe Ser Gln Thr Val Gly Gly

1 5

<210> 12306

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12306

Arg Pro Ser Ile Thr His Asp

1 5

<210> 12307

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12307

Arg Gln Glu Ser Thr Thr Leu

1 5

<210> 12308

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12308

Gly Pro Tyr Val Thr Pro Gln

1 5

<210> 12309

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12309

Asn Gly Leu Val Thr Thr Ala

1 5

<210> 12310

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12310

His Ala Gly Asn Val Pro Gly

1 5

<210> 12311

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12311

Pro Met Gly Asn Asn Leu Val

1 5

<210> 12312

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12312

Val Tyr Asn Asp Arg Ser His

1 5

<210> 12313

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12313

Thr His Lys Glu Ser Gly Tyr

1 5

<210> 12314

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12314

Gly Met Asn Ser Val Leu Leu

1 5

<210> 12315

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12315

Tyr Leu Glu Asn Gln Tyr Ser

1 5

<210> 12316

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12316

Ser Ile Thr Ser Arg Pro Asn

1 5

<210> 12317

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12317

Ser His Gln Asn Thr Ala Arg

1 5

<210> 12318

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12318

Arg Leu Val Gln Ser Ala Glu

1 5

<210> 12319

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12319

Tyr Pro Lys Ser Ala Thr Asn

1 5

<210> 12320

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12320

Ile Asn Ser Ser Pro Pro Leu

1 5

<210> 12321

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12321

Thr Gln Asn Leu Ala Gly Gly

1 5

<210> 12322

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12322

Phe Gln Val Ala Lys Asp Arg

1 5

<210> 12323

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12323

Arg Leu Ser Gly Asn Gln Asn

1 5

<210> 12324

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12324

Thr Thr Asp Arg Val Ser His

1 5

<210> 12325

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12325

Thr Ala Thr Val Thr Ala Arg

1 5

<210> 12326

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12326

Leu Ser Met Met Ser Asp Lys

1 5

<210> 12327

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12327

Thr Leu Ile Gln Thr Ser Pro

1 5

<210> 12328

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12328

Pro Met His Ile Thr Asn Ala

1 5

<210> 12329

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12329

Thr Val Gly Gln Pro Ala His

1 5

<210> 12330

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12330

Glu Asp Lys Asp Val Arg Leu

1 5

<210> 12331

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12331

Met Lys Val Ala Gln Pro Met

1 5

<210> 12332

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12332

Val Gly Val Pro Asn Leu Pro

1 5

<210> 12333

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12333

Ala Pro Leu Ser Ser Asp Pro

1 5

<210> 12334

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12334

Phe Leu His Ala Ser Val Asp

1 5

<210> 12335

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12335

Pro Thr Val Gly Thr Tyr Ile

1 5

<210> 12336

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12336

Glu Pro Leu His Arg Asn Ser

1 5

<210> 12337

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12337

Ala Ser Thr Val Thr Val Glu

1 5

<210> 12338

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12338

Ala Pro Arg Ile Asp Asn Ala

1 5

<210> 12339

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12339

Tyr Arg Asp Ser Ala Ala Pro

1 5

<210> 12340

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12340

Leu Thr Gln Asn Ala Ser Val

1 5

<210> 12341

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12341

Leu Ser Ala Arg Leu Thr Thr

1 5

<210> 12342

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12342

Asn Gly Lys Ser Ser Asp Lys

1 5

<210> 12343

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12343

Ala Leu Val Lys Asp Thr Thr

1 5

<210> 12344

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12344

Met Leu Val Thr Thr Gly Glu

1 5

<210> 12345

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12345

Ser Gly Asn Pro Ser Tyr Ala

1 5

<210> 12346

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12346

Val Ile Thr Gly Gly Met Ser

1 5

<210> 12347

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12347

Leu Glu Pro Asn Val Gln Thr

1 5

<210> 12348

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12348

Arg Phe Ser Glu Val Thr Pro

1 5

<210> 12349

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12349

Asp Pro Gly Lys Ala Ser Leu

1 5

<210> 12350

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12350

Ile Ala His Glu Ser Thr Asp

1 5

<210> 12351

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12351

Tyr Pro Ser Asn Ser Met His

1 5

<210> 12352

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12352

Ser Thr Thr Pro Pro Ser Gly

1 5

<210> 12353

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12353

Val Glu Gln Asn Ser Lys Asn

1 5

<210> 12354

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12354

Thr Ile Ala Gly Arg Leu Val

1 5

<210> 12355

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12355

Ala Arg His Thr Gly Glu Met

1 5

<210> 12356

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12356

Gln His Leu Pro Asn His Ile

1 5

<210> 12357

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12357

Thr Thr Met Gly Thr Tyr Pro

1 5

<210> 12358

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12358

Thr Glu Ser Val Met Pro Arg

1 5

<210> 12359

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12359

Gly Ala Lys Pro Ser Asn Asp

1 5

<210> 12360

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12360

Ala Val Ser Ser Asp Met Ser

1 5

<210> 12361

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12361

His Ser Pro Gln Leu Gly Gly

1 5

<210> 12362

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12362

Leu Tyr Thr Asn Pro Asn Thr

1 5

<210> 12363

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12363

Thr Val Ala Leu Asn Met Ala

1 5

<210> 12364

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12364

Gln Arg Val Pro Ala Tyr Gln

1 5

<210> 12365

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12365

Ser Asp Val Ser Lys Val Tyr

1 5

<210> 12366

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12366

Ser Asn Thr Gly Glu Gln Val

1 5

<210> 12367

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12367

Phe Thr Thr Gly Leu Asn His

1 5

<210> 12368

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12368

Asn Asp Thr Gln Tyr Lys His

1 5

<210> 12369

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12369

Val His Asp Val Lys Gly Ile

1 5

<210> 12370

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12370

Tyr Gly Gly Arg Asp Ser Tyr

1 5

<210> 12371

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12371

His Ser Thr Ala Thr Thr His

1 5

<210> 12372

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12372

Pro Ser Pro Thr Thr Arg Thr

1 5

<210> 12373

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12373

Gly His Ala Glu Ala Ala Met

1 5

<210> 12374

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12374

Ser Leu Ser Thr Arg Pro Val

1 5

<210> 12375

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12375

Ser Pro Val Pro Gly Lys Pro

1 5

<210> 12376

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12376

Thr Arg Ile Asn Ser Pro Leu

1 5

<210> 12377

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12377

Glu Ser Thr Tyr Ala Lys Leu

1 5

<210> 12378

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12378

Gln Ile Asn Gln Gly Thr Arg

1 5

<210> 12379

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12379

Gly Ser Arg Thr Gly Ser Ile

1 5

<210> 12380

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12380

Gly Asn Ala Ser Trp Ser Ala

1 5

<210> 12381

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12381

Ala Ala His Asp Ile Gly Lys

1 5

<210> 12382

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12382

Lys Asp Arg Pro Phe Val Glu

1 5

<210> 12383

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12383

Leu Pro His Thr Lys Pro Phe

1 5

<210> 12384

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12384

Pro Gly Lys Gly Val Ser Leu

1 5

<210> 12385

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12385

Asp Arg Gln Asn Ala Ser Ala

1 5

<210> 12386

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12386

Val Gln Pro Ser Leu Ser Val

1 5

<210> 12387

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12387

Lys Pro Thr Pro Ile Glu Phe

1 5

<210> 12388

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12388

Leu Leu His Asp Met Lys Ser

1 5

<210> 12389

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12389

Asn Ser Asp Arg Thr Leu Ser

1 5

<210> 12390

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12390

Lys Val Gly His Gly Phe Asn

1 5

<210> 12391

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12391

Thr Lys Pro Ala Val Ser Phe

1 5

<210> 12392

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12392

Ala Met Thr Asn Ile Pro Lys

1 5

<210> 12393

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12393

Phe Ser His Met Ser Leu Pro

1 5

<210> 12394

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12394

Gly Ser Val Arg Asp Asn Pro

1 5

<210> 12395

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12395

Ser Ser Ser Gln Gly Pro Thr

1 5

<210> 12396

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12396

Leu Val Gly Arg Pro Val Thr

1 5

<210> 12397

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12397

Ile Asn Tyr Gly Val Gln Lys

1 5

<210> 12398

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12398

Ile Asn Lys Asp Asn Asn Gln

1 5

<210> 12399

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12399

Ser Gly Gln Ser Ser Ala Met

1 5

<210> 12400

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12400

Glu Tyr Asn Ser Thr Lys Leu

1 5

<210> 12401

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12401

Phe Met Thr Leu Glu Arg Ala

1 5

<210> 12402

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12402

Phe Gly Lys Asp Tyr Val Asn

1 5

<210> 12403

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12403

Leu Leu Leu Gly Gly Thr Pro

1 5

<210> 12404

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12404

Thr Thr Thr Tyr Thr Arg Asn

1 5

<210> 12405

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12405

Asp Arg Gly Met Arg Gly Ala

1 5

<210> 12406

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12406

Ala Val Ser Gly Thr Arg Thr

1 5

<210> 12407

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12407

Asn Phe Ser Gly Val Ala Lys

1 5

<210> 12408

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12408

Asp Arg Asn Asn Ser Ile Ser

1 5

<210> 12409

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12409

Ile Pro Gln Arg Pro Leu Asp

1 5

<210> 12410

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12410

Pro Ala Ala Asn Gln Tyr Val

1 5

<210> 12411

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12411

Tyr Ser Gly Thr Ala Ile Arg

1 5

<210> 12412

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12412

Trp Val Gln Arg Thr Glu Ser

1 5

<210> 12413

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12413

Pro Lys Asp Gly Gly Ala Ile

1 5

<210> 12414

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12414

Leu Ala Thr Pro Gln Glu Glu

1 5

<210> 12415

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12415

Leu Asn Ser Pro Val Met Ala

1 5

<210> 12416

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12416

Gly Ala Thr Gly Thr Arg Ala

1 5

<210> 12417

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12417

Arg Thr Asp Val Arg Thr Asn

1 5

<210> 12418

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12418

Arg Asn Leu Ala His Pro Tyr

1 5

<210> 12419

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12419

Leu Ser Thr Ser Tyr Ser Thr

1 5

<210> 12420

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12420

Gly Val Asn Gln Thr Ala Arg

1 5

<210> 12421

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12421

Leu Pro Ala Ser Ser Ala Arg

1 5

<210> 12422

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12422

Gln Leu Tyr Ser Val Asn Ala

1 5

<210> 12423

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12423

Val Gly Thr Tyr Thr Ala Thr

1 5

<210> 12424

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12424

Arg Ser Met Thr Val Ile Glu

1 5

<210> 12425

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12425

Phe Gly Arg Gly Asp Thr Gly

1 5

<210> 12426

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12426

Ala Ala Gly Arg Ser Asn Pro

1 5

<210> 12427

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12427

Met Pro Gln Ser Ser Leu Ala

1 5

<210> 12428

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12428

Pro Ser Lys His Glu Arg Tyr

1 5

<210> 12429

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12429

Leu Phe Asp Ser Ser Lys Thr

1 5

<210> 12430

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12430

Ser Pro Gln Pro Arg Leu Ser

1 5

<210> 12431

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12431

Arg Arg Pro Asp Val Glu Asn

1 5

<210> 12432

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12432

Pro Met Gly Ser Ala Gly Ser

1 5

<210> 12433

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12433

Trp Ser Thr Gly Met Thr Ser

1 5

<210> 12434

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12434

Gly Leu Val Arg Asn Gly Val

1 5

<210> 12435

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12435

Glu Gly Ser Tyr Ser Thr Ser

1 5

<210> 12436

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12436

Ala Thr Ser Met Leu Thr His

1 5

<210> 12437

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12437

Ser Thr Thr Gly Pro Pro Ser

1 5

<210> 12438

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12438

Arg Gly Ala Ser Val Ser Met

1 5

<210> 12439

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12439

Val His Glu His Gly Ala Ser

1 5

<210> 12440

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12440

His Ser Pro Ser Gln Pro Arg

1 5

<210> 12441

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12441

Gly Ile Gly Gln Asn Thr Ala

1 5

<210> 12442

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12442

His Arg Val Glu Asn Ser Tyr

1 5

<210> 12443

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12443

Thr Glu Phe Lys Pro Pro Ser

1 5

<210> 12444

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12444

Tyr Gly Asn Leu Gly Val Asn

1 5

<210> 12445

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12445

Leu Thr Arg Val Leu Thr Gly

1 5

<210> 12446

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12446

Met Lys Asn Ser Asn Gly Ala

1 5

<210> 12447

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12447

Gly Thr Gln Thr His Leu Gln

1 5

<210> 12448

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12448

Asn Ala Leu Ala Arg Thr Met

1 5

<210> 12449

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12449

Asn Asn Ser Met Gln Thr Val

1 5

<210> 12450

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12450

Gln Gln Gly Asn Gly Arg Ser

1 5

<210> 12451

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12451

Leu Thr Lys Ser Gln Gly Tyr

1 5

<210> 12452

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12452

Ala Pro Ala Glu Pro Lys Thr

1 5

<210> 12453

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12453

Tyr Ser Asn Gln Val Ser Asn

1 5

<210> 12454

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12454

Thr Arg Thr Gly Phe Ser Pro

1 5

<210> 12455

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12455

Pro Val Tyr Lys Thr Asp Asp

1 5

<210> 12456

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12456

Ser Asp Arg Pro Ala Pro Glu

1 5

<210> 12457

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12457

Val Gln Glu Lys Ser Arg Pro

1 5

<210> 12458

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12458

Ser Gly Gly Leu Thr Glu Arg

1 5

<210> 12459

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12459

Ser Gly Gly Thr Arg Glu Gly

1 5

<210> 12460

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12460

Ala Val Pro Gly Glu Thr Arg

1 5

<210> 12461

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12461

Pro Arg Pro Glu Arg Met Tyr

1 5

<210> 12462

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12462

Ser Asn Gly Asn Ile Ser Arg

1 5

<210> 12463

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12463

Ala Arg Thr Glu Arg Asn Gln

1 5

<210> 12464

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12464

Ser Pro Gln Gln Phe Ser Lys

1 5

<210> 12465

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12465

Ser Thr Gly Pro Phe Pro Gln

1 5

<210> 12466

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12466

Ala Asn Ile Gly Thr Ser Thr

1 5

<210> 12467

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12467

Tyr Arg Asp Asn Thr Ser Gly

1 5

<210> 12468

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12468

Val Gln Thr Arg Ser Pro Met

1 5

<210> 12469

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12469

Ile His Thr Ser Ile Val Asp

1 5

<210> 12470

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12470

Met Thr Arg Thr Ser Ser Glu

1 5

<210> 12471

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12471

Pro Ser Asn Phe Pro Gly Ser

1 5

<210> 12472

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12472

Met Ile Gly Gly Thr Gln Ser

1 5

<210> 12473

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12473

Lys Leu Asp Lys His Glu Ser

1 5

<210> 12474

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12474

Leu Thr Ser Ser Asn Ser Ala

1 5

<210> 12475

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12475

Ser Thr Arg Asp Thr His Phe

1 5

<210> 12476

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12476

Asp Thr Leu Lys Ala Val Arg

1 5

<210> 12477

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12477

Gln Arg Asn Pro Ser Leu His

1 5

<210> 12478

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12478

Ser Gly Asp Gly Asn Arg Ser

1 5

<210> 12479

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12479

Gly Val Tyr Lys Thr Leu His

1 5

<210> 12480

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12480

Ile Asn Ser Asn Gln Val Ser

1 5

<210> 12481

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12481

His Tyr Asn Glu His Met Thr

1 5

<210> 12482

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12482

Thr Val Gln Val Arg Asp Arg

1 5

<210> 12483

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12483

Gly Asn Asp Ile Arg Ser Arg

1 5

<210> 12484

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12484

Val Ser Val Ser Met Gly Pro

1 5

<210> 12485

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12485

Phe Lys Thr Asn Ile Ser Ala

1 5

<210> 12486

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12486

Phe Pro Lys Val Glu Arg Tyr

1 5

<210> 12487

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12487

Leu Ser Lys Phe Gln Thr Thr

1 5

<210> 12488

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12488

Ser Leu Met Asn Ser Arg Ser

1 5

<210> 12489

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12489

Gly Arg Gly Val Leu Glu Ser

1 5

<210> 12490

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12490

Pro Asn Gly Ser Gln Met Ile

1 5

<210> 12491

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12491

Pro Thr Val Gly Asn Ser Tyr

1 5

<210> 12492

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12492

Ser Ser Asp Ile Met Lys Ala

1 5

<210> 12493

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12493

Leu Met Thr Ser Ala Gly Arg

1 5

<210> 12494

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12494

Pro Ala Met Ser Ser Ser Arg

1 5

<210> 12495

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12495

Arg Asp Lys Ala Ile Ser Thr

1 5

<210> 12496

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12496

Leu Thr Leu Lys Gln Gly Ile

1 5

<210> 12497

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12497

Ser His Ala Asn Gly Phe Ser

1 5

<210> 12498

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12498

Pro Asn Leu Lys Ala Pro Gln

1 5

<210> 12499

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12499

Ser Tyr Gly Arg Glu Val Arg

1 5

<210> 12500

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12500

Asn Asp Thr Gln Ser Pro Lys

1 5

<210> 12501

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12501

Asp Glu Arg Ala Pro Lys His

1 5

<210> 12502

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12502

Asn Gly Arg Pro Met Gly Met

1 5

<210> 12503

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12503

His Thr Gln Ser Val Thr Met

1 5

<210> 12504

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12504

Asn Asn Phe Asn Ala Ser Leu

1 5

<210> 12505

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12505

Glu Tyr Leu Lys Gly Ser Ala

1 5

<210> 12506

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12506

Ser Lys Thr Pro Asp Met Leu

1 5

<210> 12507

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12507

Val Asn Thr Gly His Val Arg

1 5

<210> 12508

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12508

Gly Ser Gln Ser Asp Ala Arg

1 5

<210> 12509

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12509

Ser Leu Thr Phe Ser Lys Asp

1 5

<210> 12510

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12510

Asn Ala Leu Glu Ser Arg Met

1 5

<210> 12511

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12511

Asn Gly Ile Ala Arg Glu Pro

1 5

<210> 12512

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12512

Asn Leu Val Ser Val Ser Thr

1 5

<210> 12513

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12513

Asp Met Leu Ser Tyr Lys Pro

1 5

<210> 12514

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12514

Arg Ser Thr Asp Ser Met Thr

1 5

<210> 12515

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12515

Glu Met Asn His Ser Leu Ser

1 5

<210> 12516

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12516

Ala Leu Ser Lys Glu Ala Ser

1 5

<210> 12517

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12517

Asn Gly His Asn Met Ser Gln

1 5

<210> 12518

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12518

Thr Thr Ala Glu Ala Thr Arg

1 5

<210> 12519

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12519

Arg Glu Ser Ala His His Asn

1 5

<210> 12520

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12520

Met Phe Thr Gly Asn Gly Gln

1 5

<210> 12521

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12521

His Leu Gln Thr Pro Pro Ala

1 5

<210> 12522

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12522

Ser Leu Val Gly Gln Gly Lys

1 5

<210> 12523

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12523

Leu Pro Leu Thr Pro Ile Ala

1 5

<210> 12524

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12524

Ala Met Lys Gln Ser Ser Ile

1 5

<210> 12525

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12525

Tyr Pro Thr Asn Val Lys Ser

1 5

<210> 12526

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12526

Ser Asn Ser Leu Pro Ser Arg

1 5

<210> 12527

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12527

Pro Thr Ala Ala Thr Gly Thr

1 5

<210> 12528

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12528

Ile Ala Gln Asn Gly Pro Gly

1 5

<210> 12529

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12529

Thr Thr His Gln Leu Thr Pro

1 5

<210> 12530

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12530

Leu Ile Pro Ala Arg Asp Val

1 5

<210> 12531

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12531

Lys Ile Ala His Gly Asp Ile

1 5

<210> 12532

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12532

Ala Arg Pro Gln Ser Asp Lys

1 5

<210> 12533

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12533

Pro Arg Pro Asn Val Leu Asp

1 5

<210> 12534

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12534

Leu Asn Lys Gly Ser Ser Asn

1 5

<210> 12535

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12535

Arg Val Tyr Asn Gly Asp Leu

1 5

<210> 12536

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12536

Thr Val Pro Ala Asn Ser Ser

1 5

<210> 12537

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12537

Thr Arg His Thr Ser Leu Thr

1 5

<210> 12538

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12538

Asn His Ala Val Thr Asn Ser

1 5

<210> 12539

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12539

Leu Ala Ser His Ser Thr Leu

1 5

<210> 12540

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12540

Val Ala Phe Lys Ser Gly Ile

1 5

<210> 12541

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12541

Arg Val Gly Pro Glu Ser Ser

1 5

<210> 12542

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12542

Ala Pro Ser Asn Val His Thr

1 5

<210> 12543

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12543

Thr Arg Ser Glu Val Met Lys

1 5

<210> 12544

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12544

Leu Lys Glu Gln His Gly Gly

1 5

<210> 12545

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12545

Lys Ala Glu Ser His Ala Thr

1 5

<210> 12546

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12546

Tyr Arg Thr Asp Met Leu Ser

1 5

<210> 12547

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12547

Asp Thr Gln Gly Arg Met Arg

1 5

<210> 12548

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12548

Cys Leu Pro Lys Gly Cys Thr

1 5

<210> 12549

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12549

Gly Ser Pro Thr Val Val His

1 5

<210> 12550

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12550

Leu Ser Leu Ser Thr Gln Arg

1 5

<210> 12551

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12551

Asn Met Ala Gln Asn Ala Arg

1 5

<210> 12552

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12552

Leu Ser Thr Asn Val Leu Leu

1 5

<210> 12553

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12553

Thr Ser Pro Val Ile Arg Thr

1 5

<210> 12554

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12554

Pro Ser Ala Gly His Val Leu

1 5

<210> 12555

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12555

Leu Ser Gly Thr Ala Thr Ser

1 5

<210> 12556

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12556

Thr Gly Asn Pro Asn Pro Thr

1 5

<210> 12557

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12557

Gln Phe Glu His Ser Leu Pro

1 5

<210> 12558

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12558

Leu Thr Pro Gly Gln Ile Arg

1 5

<210> 12559

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12559

Leu Met Asn Ala Lys Thr Thr

1 5

<210> 12560

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12560

Gln Arg Asp Thr Asn Met Ala

1 5

<210> 12561

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12561

Asn Leu Leu Glu Ile Gly Arg

1 5

<210> 12562

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12562

Asp Val Lys Asp Lys Gln Ile

1 5

<210> 12563

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12563

Val Thr Ile Ser Asn Lys Pro

1 5

<210> 12564

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12564

Ser Thr Pro Ile Asn Ser Arg

1 5

<210> 12565

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12565

Gly Thr His Gly Leu Thr Ser

1 5

<210> 12566

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12566

Gln Ser Pro Gly Met Ile His

1 5

<210> 12567

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12567

Gln Thr Gly Pro Val Leu Ser

1 5

<210> 12568

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12568

Thr Tyr Val Ser Ser Gly Pro

1 5

<210> 12569

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12569

Thr Ser Thr Leu Pro Arg Leu

1 5

<210> 12570

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12570

Tyr Thr His Lys Asp Asn Asp

1 5

<210> 12571

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12571

Leu Gly Ala Gln Ser Thr Leu

1 5

<210> 12572

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12572

Leu Ala Gln Val Arg Pro Ala

1 5

<210> 12573

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12573

Gly Arg Val Val Ala Ser Asn

1 5

<210> 12574

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12574

Ser Asn Arg Val Arg Asp Leu

1 5

<210> 12575

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12575

Glu Arg Asp Arg Glu Lys Leu

1 5

<210> 12576

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12576

Lys Ser Gly Thr Ser Ser Thr

1 5

<210> 12577

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12577

Ala Gly Gln Ser Thr Ile Tyr

1 5

<210> 12578

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12578

Glu Phe Ser Gln Pro Arg Leu

1 5

<210> 12579

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12579

Thr Tyr Ala Arg Ser Asp Lys

1 5

<210> 12580

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12580

Gly Lys Phe Asn Gly His Thr

1 5

<210> 12581

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12581

Arg Leu Ile Ser Asn Gly Asn

1 5

<210> 12582

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12582

Leu Lys Glu Ser Leu Gly Pro

1 5

<210> 12583

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12583

Asn Arg His Thr Leu Ala Val

1 5

<210> 12584

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12584

Arg Asp Thr Arg Leu Ser Ala

1 5

<210> 12585

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12585

Val Ser Arg Leu Gly Ser Ile

1 5

<210> 12586

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12586

Leu Thr Thr Ser Val Ile Ser

1 5

<210> 12587

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12587

Phe Lys Gly Val Ala His Ile

1 5

<210> 12588

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12588

Lys Thr Thr Glu Ala Leu Pro

1 5

<210> 12589

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12589

Arg Asn Gln His Asp Thr Thr

1 5

<210> 12590

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12590

Asn Lys Leu Leu Pro Arg Ser

1 5

<210> 12591

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12591

Val Asn Ser His Glu Arg Ala

1 5

<210> 12592

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12592

Ala Lys Gly Ser Leu Asn Met

1 5

<210> 12593

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12593

Val Lys Thr Asp Arg Val Leu

1 5

<210> 12594

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12594

Pro Arg Ser Asp Gln Ile Arg

1 5

<210> 12595

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12595

Asn Arg Val Gly Thr Glu Arg

1 5

<210> 12596

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12596

Gly Val Pro Thr Ala Gly Thr

1 5

<210> 12597

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12597

Ser Leu Met Lys Gln Ser His

1 5

<210> 12598

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12598

Gly Thr Ser Ser Asn Ile Met

1 5

<210> 12599

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12599

Leu Arg Ser Asp Ile Ser Thr

1 5

<210> 12600

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12600

Met Thr Thr Gly Arg Asp Leu

1 5

<210> 12601

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12601

Ser Gly Val Ala Asn Ser Tyr

1 5

<210> 12602

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12602

Ala Val Pro Ser Tyr Asn Asn

1 5

<210> 12603

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12603

Leu Asn Gly Gly Asn Ser Pro

1 5

<210> 12604

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12604

Asn Ser His Ser Thr Ser Trp

1 5

<210> 12605

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12605

Met Tyr His Thr Gly Gln Val

1 5

<210> 12606

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12606

Arg Asp Lys Leu Tyr Ile Ala

1 5

<210> 12607

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12607

Arg Lys Ser Glu Ala Val Leu

1 5

<210> 12608

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12608

His Lys Gly Ile Gln Val Ile

1 5

<210> 12609

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12609

Ile Gly Lys Asp Ala Pro Lys

1 5

<210> 12610

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12610

Ser Leu Ala Gly Leu Gln Asp

1 5

<210> 12611

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12611

Phe Arg Val Ser Val Ala Glu

1 5

<210> 12612

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12612

Thr His Lys Glu His Ser Ile

1 5

<210> 12613

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12613

Asn Ser Asn His Thr Tyr Arg

1 5

<210> 12614

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12614

Phe Asn Gly Val Arg Thr Val

1 5

<210> 12615

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12615

His Met Gly Met Arg Asp Gly

1 5

<210> 12616

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12616

Gly Gln Gln Ser Met Ala Val

1 5

<210> 12617

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12617

Trp Ser Ser Gln Val Asn Arg

1 5

<210> 12618

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12618

Gly Ser His Val Gly Met Pro

1 5

<210> 12619

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12619

Lys Gly Ser Leu Thr Ala Ser

1 5

<210> 12620

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12620

Gly Ala Gln Ser Asn Ile Val

1 5

<210> 12621

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12621

Asn Asp Tyr Asn His Thr Arg

1 5

<210> 12622

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12622

Gln Ile Asn Pro Ser Ser Val

1 5

<210> 12623

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12623

Ala Leu Arg Gly Ala Ser Asn

1 5

<210> 12624

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12624

Ser Ala Ser Thr Met Ser Phe

1 5

<210> 12625

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12625

Leu Ser Ser Asn Asn Asn Asn

1 5

<210> 12626

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12626

Ser Thr Thr Leu Ala Ser Lys

1 5

<210> 12627

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12627

His Arg Met Leu Asp Gly Val

1 5

<210> 12628

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12628

Ser Ser Glu Ser Ser Thr Pro

1 5

<210> 12629

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12629

Leu Tyr Asp Ser Ser His Ser

1 5

<210> 12630

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12630

Gly Asn Tyr Asn Leu Ser Val

1 5

<210> 12631

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12631

Met His Asn Val Ala Thr Val

1 5

<210> 12632

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12632

Thr Asn Tyr Gly Asp Ser Val

1 5

<210> 12633

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12633

Asn Arg Gly Glu Asp Ala Arg

1 5

<210> 12634

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12634

Phe Gly Lys Thr Ala Ala Thr

1 5

<210> 12635

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12635

Asn Thr Lys Val Asn Thr Glu

1 5

<210> 12636

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12636

Val Thr Gly His Leu Ser Ser

1 5

<210> 12637

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12637

Val Ala Thr Ser His Leu Lys

1 5

<210> 12638

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12638

Tyr Thr Pro Gly Ser Asp Arg

1 5

<210> 12639

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12639

Gly Phe Thr Thr Val Thr His

1 5

<210> 12640

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12640

Ala Ala Ala Thr Ser Thr Thr

1 5

<210> 12641

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12641

Ala Asn Ile His Val His Gly

1 5

<210> 12642

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12642

Tyr Ser Leu Arg Gly Asn Asp

1 5

<210> 12643

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12643

Ile Asp Gln Ile Val Gln Arg

1 5

<210> 12644

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12644

Phe Asn Ser Asp Leu Ala Met

1 5

<210> 12645

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12645

Asn Met Glu Ser Gln Arg Tyr

1 5

<210> 12646

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12646

Pro Leu Ser Ser Ser Leu Ser

1 5

<210> 12647

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12647

Gln Gly Thr Leu His Ala Glu

1 5

<210> 12648

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12648

Pro Asp Arg Ala Thr Ala Leu

1 5

<210> 12649

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12649

Ala Asn Gly Lys Ile Gln Leu

1 5

<210> 12650

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12650

Tyr Ser Lys Asp Arg His Asp

1 5

<210> 12651

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12651

Asp Ser Thr Ser Arg Ala Trp

1 5

<210> 12652

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12652

Gly Leu Ser Val Ala Ile Pro

1 5

<210> 12653

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12653

Ser Tyr Leu Thr Asn His Val

1 5

<210> 12654

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12654

Val Ile Thr His Asn Met Pro

1 5

<210> 12655

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12655

Asn Arg Thr His Val Pro Gln

1 5

<210> 12656

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12656

Leu Gln Thr Thr Arg Ala Val

1 5

<210> 12657

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12657

Ala Pro Asn Ala Ile Asp Val

1 5

<210> 12658

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12658

Val Arg Asp Asn Thr Val Tyr

1 5

<210> 12659

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12659

Thr Arg Ile Gly Thr Ser Leu

1 5

<210> 12660

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12660

Thr Leu Thr Ser Gly Asn Val

1 5

<210> 12661

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12661

His Leu Asp Thr Met Arg Gly

1 5

<210> 12662

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12662

Leu Ser Ser Thr Thr Leu Asn

1 5

<210> 12663

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12663

Val Gln Ser Asn Arg Thr Asn

1 5

<210> 12664

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12664

Asn Asn Asn Ile Thr Thr Ser

1 5

<210> 12665

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12665

Val Gly Thr Ala Gly Lys Leu

1 5

<210> 12666

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12666

Pro Ala Ile Ser Thr Asp His

1 5

<210> 12667

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12667

Ser Asn Leu Gly Asn Val Pro

1 5

<210> 12668

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12668

Gln Asn Gln Ser Arg Phe Thr

1 5

<210> 12669

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12669

Ala Ser Lys Gly Met Thr Leu

1 5

<210> 12670

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12670

Ala Thr Ala Gln Asp Lys Thr

1 5

<210> 12671

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12671

Trp Asp Ser Ser Ser Val Arg

1 5

<210> 12672

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12672

Thr Asn Gly Ser Glu Lys Ser

1 5

<210> 12673

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12673

Ser Ala Glu Asn His Thr Tyr

1 5

<210> 12674

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12674

Ser Val Pro Gln Ala Tyr Gln

1 5

<210> 12675

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12675

Lys Asp Tyr Val Val Thr Asn

1 5

<210> 12676

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12676

Val Val Gln Met Lys Gln Thr

1 5

<210> 12677

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12677

Arg Thr Leu Ser Leu Thr Ala

1 5

<210> 12678

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12678

Asn Thr Val Val Gly Ser Ser

1 5

<210> 12679

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12679

Ser Leu Asn Ser Pro Thr Thr

1 5

<210> 12680

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12680

Thr Thr Gly Met Asp Val Lys

1 5

<210> 12681

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12681

Asn Asn Arg Asp Thr Thr Asn

1 5

<210> 12682

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12682

Trp Gly Asn Tyr Thr Pro Thr

1 5

<210> 12683

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12683

Gly Ile Thr Arg Ser Asp Thr

1 5

<210> 12684

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12684

His Ile Leu Arg Thr Pro Glu

1 5

<210> 12685

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12685

Arg Ser Ala Ser Val Glu Asn

1 5

<210> 12686

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12686

Ser Leu Ser Leu Gly Lys Gly

1 5

<210> 12687

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12687

Lys Arg Glu Val Val Gly Asp

1 5

<210> 12688

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12688

Ile Gln Pro Ser Asn His Glu

1 5

<210> 12689

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12689

Met Asn Leu Gly Asn Ala Pro

1 5

<210> 12690

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12690

Gln Pro Asn Asn Thr Asn Ser

1 5

<210> 12691

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12691

Leu Gln Ser Met Val Gln Gly

1 5

<210> 12692

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12692

His Gly Asn Thr Thr Ser Thr

1 5

<210> 12693

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12693

Ile Gln Ser Thr Val Thr Leu

1 5

<210> 12694

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12694

Asp Asp Arg Gln Gly Pro Arg

1 5

<210> 12695

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12695

Gln Thr Ala Thr Asn Ile Leu

1 5

<210> 12696

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12696

Arg Gln His Ala Asp Thr Val

1 5

<210> 12697

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12697

Thr Arg Ser Glu Ser Ser Leu

1 5

<210> 12698

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12698

Arg Gly His Asp Pro Ala Val

1 5

<210> 12699

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12699

Ser Thr Ser Gln Thr Asp Leu

1 5

<210> 12700

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12700

Val Ser Thr Ser Ala Val Leu

1 5

<210> 12701

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12701

Ser Met Pro Pro Glu Arg Phe

1 5

<210> 12702

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12702

Val Thr Ser Ala His Pro Val

1 5

<210> 12703

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12703

Thr Ser Arg Gln Val Gly Leu

1 5

<210> 12704

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12704

Thr Pro Lys Phe Ser Tyr Glu

1 5

<210> 12705

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12705

Asn Arg Met Ala Ser Thr Met

1 5

<210> 12706

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12706

Leu Leu Asp Asn Thr Arg Pro

1 5

<210> 12707

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12707

Leu Thr Thr Ile Pro Ser Thr

1 5

<210> 12708

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12708

Ala Asn Arg Ile Arg Asp Asn

1 5

<210> 12709

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12709

Pro Arg Asp Ile Gln Arg Thr

1 5

<210> 12710

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12710

Met Pro His Gly Leu Lys Asn

1 5

<210> 12711

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12711

Pro Phe Thr Gln Asn His Leu

1 5

<210> 12712

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12712

Asn Ala Asn Gly Asn Thr Arg

1 5

<210> 12713

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12713

Leu Ala Tyr Ser Thr Ser Ala

1 5

<210> 12714

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12714

Thr Asp Arg Tyr Asn Ile Lys

1 5

<210> 12715

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12715

Tyr Val Thr Ser Ala Glu His

1 5

<210> 12716

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12716

Ser His Gln Gln Thr Thr Val

1 5

<210> 12717

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12717

Leu Asn Met Gln Thr Arg Gly

1 5

<210> 12718

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12718

Tyr Thr Pro Gln Leu Lys Ser

1 5

<210> 12719

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12719

Gln Ile Asn Gly Gln Val Ile

1 5

<210> 12720

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12720

Thr Arg Glu Gly Val Leu Pro

1 5

<210> 12721

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12721

Val His Gln Ser Val Pro Leu

1 5

<210> 12722

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12722

Pro Tyr Ser Met Gly His Pro

1 5

<210> 12723

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12723

Gly Thr Lys Thr His Ser Leu

1 5

<210> 12724

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12724

Thr Leu Thr Thr Gly Ser Lys

1 5

<210> 12725

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12725

Phe Thr Ile Gly Val Thr Gly

1 5

<210> 12726

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12726

Leu Ser Ser His Asn His Asn

1 5

<210> 12727

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12727

Thr Gly Lys Met Pro Leu Glu

1 5

<210> 12728

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12728

Thr Ala Asn Pro His Ala Thr

1 5

<210> 12729

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12729

His Asp Ser Val Ala Ser Ser

1 5

<210> 12730

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12730

Thr Arg Ala Asp Val Leu Met

1 5

<210> 12731

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12731

Ala Asn His Ala Ser Asn Ala

1 5

<210> 12732

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12732

Ser His Ile Val Gly Val Glu

1 5

<210> 12733

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12733

Tyr Thr Ala Gln Lys Thr Ser

1 5

<210> 12734

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12734

Leu Pro Ala Val Gln Lys Met

1 5

<210> 12735

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12735

Ser Gly Ile Gln Thr Ala Lys

1 5

<210> 12736

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12736

Asp Pro Val Lys Ile Gly His

1 5

<210> 12737

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12737

Ser Gln Thr Met Ser Lys Ser

1 5

<210> 12738

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12738

Ser Leu Thr Pro Thr Asn Ile

1 5

<210> 12739

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12739

Tyr Leu Asn Asn Thr Asn Ser

1 5

<210> 12740

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12740

Met Thr Arg Met Ser Gln Asn

1 5

<210> 12741

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12741

Val Asn Gln Ser Leu Ser Arg

1 5

<210> 12742

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12742

Arg Thr Val Thr Asp Asn Arg

1 5

<210> 12743

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12743

Ile Thr Gly Val Phe Ala Asn

1 5

<210> 12744

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12744

Ser Pro Gly Leu Ser Arg Val

1 5

<210> 12745

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12745

Val Val Asn Pro Gln Thr Arg

1 5

<210> 12746

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12746

Trp Ser Gln Ser Leu Ser Ala

1 5

<210> 12747

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12747

Pro Arg Asp Ala Ser Asn Asp

1 5

<210> 12748

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12748

Tyr Thr Ser Met Thr Glu Phe

1 5

<210> 12749

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12749

Asn Asn Ser Pro Ser Pro Arg

1 5

<210> 12750

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12750

Asn Ser Leu Ser His Gly Asp

1 5

<210> 12751

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12751

Arg Val Ala Gly Glu Met Ala

1 5

<210> 12752

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12752

Gly Ile Gly Ser Arg Glu Leu

1 5

<210> 12753

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12753

Tyr Val Ser Arg Ile Arg Asp

1 5

<210> 12754

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12754

Tyr Pro Ser Pro Asn Asp Asn

1 5

<210> 12755

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12755

Leu Gln Arg Thr Ala His Asn

1 5

<210> 12756

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12756

Leu Asp Ser Leu Ser Arg His

1 5

<210> 12757

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12757

Thr Lys Ile Ser Ala Gly Ser

1 5

<210> 12758

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12758

Lys Asp Asn Ser Pro Val Val

1 5

<210> 12759

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12759

Thr Gly Gln Gly Ser Ser Leu

1 5

<210> 12760

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12760

Asp Thr His Leu Ser Arg His

1 5

<210> 12761

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12761

Asp Ile Val Arg Arg Gln Ala

1 5

<210> 12762

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12762

Ala Met Lys Tyr Ala Gln Thr

1 5

<210> 12763

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12763

Arg Leu Ala Asp Gln His Pro

1 5

<210> 12764

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12764

Ala Pro Asp Ser Thr Arg Met

1 5

<210> 12765

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12765

Ser Arg Val Ser Pro Ser Ser

1 5

<210> 12766

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12766

Val His Gly Gln Gly Glu Pro

1 5

<210> 12767

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12767

Met Arg Asp Ser Ser Thr Arg

1 5

<210> 12768

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12768

Trp Pro Gln His Thr Asn Thr

1 5

<210> 12769

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12769

Val Gly Ser Tyr Pro Val Thr

1 5

<210> 12770

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12770

Thr Ala Thr Gln Gly Ala Asn

1 5

<210> 12771

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12771

Lys Asn Asn Ser Met Asp Ser

1 5

<210> 12772

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12772

His Thr Asn Ala Val Lys Glu

1 5

<210> 12773

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12773

Leu His Ser Val Thr Thr Pro

1 5

<210> 12774

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12774

Ala Pro Gly Gln Gln Asn Phe

1 5

<210> 12775

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12775

Ser Tyr Thr Asn Arg Thr Met

1 5

<210> 12776

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12776

Ser Gly Gln Ser Asn Thr Lys

1 5

<210> 12777

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12777

Asp Ser Tyr Arg Ala Gln Ser

1 5

<210> 12778

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12778

Met Tyr Lys His Asn Ser Asp

1 5

<210> 12779

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12779

Ser Leu Ala Met Val Asn Pro

1 5

<210> 12780

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12780

Pro Leu Thr Ser Lys Ser Met

1 5

<210> 12781

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12781

Leu Gly Ala Gln Pro Thr Pro

1 5

<210> 12782

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12782

Glu Gly Asn Gln Lys Pro Gln

1 5

<210> 12783

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12783

Gln Val Arg Pro Gly Ala His

1 5

<210> 12784

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12784

Ser Gly Asn Ile Thr Ala Met

1 5

<210> 12785

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12785

Asn Asp Ser Lys Ile Ala Glu

1 5

<210> 12786

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12786

Ile Met Lys Asn Glu His Asn

1 5

<210> 12787

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12787

Leu Leu Thr Asn Thr Asp Arg

1 5

<210> 12788

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12788

Asp Thr Ala Gln Ser Arg Asn

1 5

<210> 12789

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12789

Ile Asp His Gly Lys Thr Asn

1 5

<210> 12790

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12790

Thr Ser Pro Arg Ser Leu Leu

1 5

<210> 12791

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12791

Ser Asn Pro Arg Asp Ser Ser

1 5

<210> 12792

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12792

Ile Met Gln Ser Ile Gln Asn

1 5

<210> 12793

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12793

Lys Val Ser Pro Ser Ser Thr

1 5

<210> 12794

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12794

Thr Gly Pro Ser Pro Ser Leu

1 5

<210> 12795

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12795

Gly Ala Ala Arg Ala Gln Ala

1 5

<210> 12796

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12796

Lys Phe Gln Ser Pro Glu Pro

1 5

<210> 12797

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12797

Met Ala Thr Asn Ser Thr Glu

1 5

<210> 12798

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12798

Asn Val Leu Thr Asn Ile Ser

1 5

<210> 12799

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12799

Lys Asn Gly Met Asn Leu Val

1 5

<210> 12800

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12800

Thr Pro Thr Gln Pro Ser Ser

1 5

<210> 12801

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12801

Thr Lys Glu Leu Val Ile His

1 5

<210> 12802

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12802

Ile Met Asn Gln Ser Val Gln

1 5

<210> 12803

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12803

Val Ser Asn Ala Arg Asp Lys

1 5

<210> 12804

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12804

Ser Asn His Thr Arg Ser Tyr

1 5

<210> 12805

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12805

His Thr Asp Arg Leu Asn Pro

1 5

<210> 12806

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12806

Ala Ala Pro Ser Met Ser Asp

1 5

<210> 12807

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12807

Phe Ser Asn Thr His Ala Leu

1 5

<210> 12808

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12808

Ala His Asp Leu His Arg Val

1 5

<210> 12809

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12809

Leu Gln Val Asn His Val Ala

1 5

<210> 12810

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12810

Ser Gly Pro Asn Leu Ser Arg

1 5

<210> 12811

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12811

Thr Tyr Thr Ser Thr Pro Gly

1 5

<210> 12812

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12812

Tyr Gly Thr Pro Pro Ser Thr

1 5

<210> 12813

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12813

Tyr Gly Val Ser Ser Gly Ser

1 5

<210> 12814

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12814

Pro Thr Arg Asp Leu Met Ser

1 5

<210> 12815

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12815

Lys Ile Asp Ala Met Thr Gln

1 5

<210> 12816

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12816

Arg Ile Gly Thr Ser Glu Val

1 5

<210> 12817

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12817

Phe Asp Pro Leu Gln Ser Ser

1 5

<210> 12818

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12818

Leu Leu His His Val Glu Val

1 5

<210> 12819

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12819

Val Thr Leu Gly Asn Ser Val

1 5

<210> 12820

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12820

Leu Leu Asn Asp Arg Ser Val

1 5

<210> 12821

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12821

Phe Val Asp Arg Arg Pro Gln

1 5

<210> 12822

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12822

Thr Asn Val Thr Thr Thr Thr

1 5

<210> 12823

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12823

Asp Glu Thr Asn Lys Arg Trp

1 5

<210> 12824

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12824

Thr Ser Thr Ser Ala Ile Arg

1 5

<210> 12825

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12825

Gly Thr Ser Arg Val Gln Gly

1 5

<210> 12826

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12826

Leu Asn Thr Met Ala Leu Pro

1 5

<210> 12827

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12827

Ser Thr His Ala Thr Asp Arg

1 5

<210> 12828

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12828

His His Gly Val Thr Ser Gly

1 5

<210> 12829

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12829

Gly Leu Met Ala Asn Asn Pro

1 5

<210> 12830

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12830

Gly Ser Ser Ser Asn Ser Phe

1 5

<210> 12831

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12831

Arg Glu Lys Met Thr Leu Leu

1 5

<210> 12832

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12832

Ser Pro Val Ser Ser Asp Ser

1 5

<210> 12833

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12833

Asp Val Ala His Lys Asp Arg

1 5

<210> 12834

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12834

Ser Met Val Ser Asn Ile Ala

1 5

<210> 12835

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12835

Met Met His Asn Met Gln Ser

1 5

<210> 12836

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12836

Val Ser Asn Ser Ser Arg Met

1 5

<210> 12837

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12837

Tyr Thr Ala Thr Lys Ala Ser

1 5

<210> 12838

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12838

Ser Thr Ser Gly Gly Val Arg

1 5

<210> 12839

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12839

Phe Thr Arg Ala Glu Pro Ala

1 5

<210> 12840

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12840

Pro Ile Thr Arg Gly Thr Ile

1 5

<210> 12841

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12841

Tyr His Asn Ser Met Leu Gly

1 5

<210> 12842

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12842

Ser Asn Ser Pro Gly Asn Ala

1 5

<210> 12843

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12843

Gln Lys Gly Val Gln Leu Pro

1 5

<210> 12844

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12844

Arg Ser Glu Thr Asn Asn Thr

1 5

<210> 12845

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12845

Val Asp Gln Met Leu Ala Pro

1 5

<210> 12846

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12846

Gln Thr Arg His Thr Ser Met

1 5

<210> 12847

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12847

Met His Ala Asp Arg Ala Leu

1 5

<210> 12848

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12848

Ser Thr Thr His Ala Pro Lys

1 5

<210> 12849

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12849

Ser Asn Gln Thr Ile Met Thr

1 5

<210> 12850

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12850

Val Ser Ser Pro Ser Gly Leu

1 5

<210> 12851

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12851

Lys Arg Gly Glu Glu Met Val

1 5

<210> 12852

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12852

Gln Asp Ser Gly Asn Ser Tyr

1 5

<210> 12853

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12853

Ser His Ala Thr Thr Gly Gly

1 5

<210> 12854

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12854

Lys Leu Ser Glu Thr Ser His

1 5

<210> 12855

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12855

Leu Asn Tyr Lys Glu Ala Pro

1 5

<210> 12856

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12856

Ser Val Asp Ser Val Arg Leu

1 5

<210> 12857

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12857

Gln Pro Asn Val Ile Gln Thr

1 5

<210> 12858

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12858

Arg Met Thr Asn Leu Gln Thr

1 5

<210> 12859

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12859

Ala Thr Pro Gly Gly Ser Gly

1 5

<210> 12860

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12860

Asp Val Asn Ser Met Ser Ser

1 5

<210> 12861

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12861

Leu Pro Arg Ser His Leu Asp

1 5

<210> 12862

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12862

Pro Ala Pro Arg Tyr Asp Lys

1 5

<210> 12863

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12863

Arg Asn Tyr Ser Asp Lys Asp

1 5

<210> 12864

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12864

Ser Glu Asn Leu Leu Ser Arg

1 5

<210> 12865

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12865

Ser Ser Leu Asn Met Lys Asp

1 5

<210> 12866

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12866

Ser Asp Lys Glu Tyr Gly Arg

1 5

<210> 12867

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12867

Tyr Val Ser Gln Ser Gly Met

1 5

<210> 12868

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12868

Asn Val Val Ser Val Arg Gln

1 5

<210> 12869

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12869

Thr Gly Lys Glu Gly Arg Thr

1 5

<210> 12870

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12870

Phe Lys Asn Thr Val Ala Thr

1 5

<210> 12871

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12871

Gly Ser Arg Glu Pro Ser Ser

1 5

<210> 12872

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12872

Arg Glu Lys Val Ser Thr Pro

1 5

<210> 12873

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12873

Gln Glu Pro Ala Arg His Asn

1 5

<210> 12874

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12874

Thr Ser His Ser Asn Gly Arg

1 5

<210> 12875

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12875

Asp Leu Ser Ser Pro Lys Met

1 5

<210> 12876

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12876

Leu Ala Thr Thr Pro Lys Pro

1 5

<210> 12877

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12877

Ser Gly Pro Asn Val Ser Leu

1 5

<210> 12878

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12878

Pro Val Tyr Asn Ala Ser Pro

1 5

<210> 12879

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12879

Asn Ser Thr Thr Leu Val Met

1 5

<210> 12880

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12880

Arg Asn Ala Val Val Ser Met

1 5

<210> 12881

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12881

Lys Asp Leu Leu Ala Lys Leu

1 5

<210> 12882

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12882

Pro His Glu Gly Ser Ser Arg

1 5

<210> 12883

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12883

Arg Asp Thr Val Ser Arg Tyr

1 5

<210> 12884

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12884

Gly Gln Ala Ala Gln Gly His

1 5

<210> 12885

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12885

Arg Ala Glu Thr Ala His Val

1 5

<210> 12886

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12886

Glu Asn Arg Thr Val Pro Thr

1 5

<210> 12887

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12887

Ser Ser Asn Asp Ala Arg Val

1 5

<210> 12888

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12888

Pro Gly Gln Val Asp Arg Arg

1 5

<210> 12889

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12889

Gly Pro Gly Ala Asn Thr Thr

1 5

<210> 12890

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12890

Met Pro Glu Asn Leu Lys Glu

1 5

<210> 12891

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12891

Thr Asn Ala Val Ala Ser Asn

1 5

<210> 12892

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12892

Tyr Gly Lys Ile Glu Leu Tyr

1 5

<210> 12893

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12893

Asn Pro Asn Gly Thr Gly Phe

1 5

<210> 12894

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12894

Ser Arg Asn Thr Met Gly Ser

1 5

<210> 12895

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12895

Pro Ser His Gly Ile Thr Ala

1 5

<210> 12896

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12896

Leu Glu Thr Leu Arg Gly Pro

1 5

<210> 12897

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12897

Asp Arg Ser Pro Asp Ile Arg

1 5

<210> 12898

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12898

Lys Asp Leu Ala Ser Ala Lys

1 5

<210> 12899

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12899

Ile Thr Ser His Gly Asn Ser

1 5

<210> 12900

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12900

His Ser Lys Met Pro Ser Thr

1 5

<210> 12901

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12901

Ile Ala Thr Phe Thr Thr Ala

1 5

<210> 12902

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12902

Ala Ala Ser Gly Tyr Leu Asn

1 5

<210> 12903

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12903

Asp Ser Val Arg Pro Ala Ile

1 5

<210> 12904

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12904

Arg Leu Ser Glu Glu Met Arg

1 5

<210> 12905

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12905

Leu Pro Ile Ser Ala Thr Glu

1 5

<210> 12906

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12906

Ser Asn Val Ala Ala Gln Met

1 5

<210> 12907

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12907

Tyr Gln Ser Leu Ile Ser Glu

1 5

<210> 12908

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12908

Tyr Gln Ser Gly Tyr Asp Lys

1 5

<210> 12909

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12909

Leu Arg Thr Gly Glu Leu Thr

1 5

<210> 12910

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12910

Pro Ala Thr Asn Asn Met Arg

1 5

<210> 12911

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12911

Val Ser Ser Ser Lys Phe Ser

1 5

<210> 12912

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12912

Thr Thr Leu Leu Asp Lys Ala

1 5

<210> 12913

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12913

Ser Pro Ala Leu His Pro Ser

1 5

<210> 12914

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12914

Phe Asn His Asn Arg Thr Asp

1 5

<210> 12915

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12915

Ala Glu Lys Thr Ala Asn Gly

1 5

<210> 12916

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12916

Asn Leu Arg Val Thr Ala Ser

1 5

<210> 12917

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12917

Met Lys Asp Gly Ser Arg Ile

1 5

<210> 12918

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12918

Arg Ile Gly Ala Asn Ala Thr

1 5

<210> 12919

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12919

Ala Asn Leu Thr Pro Asn Arg

1 5

<210> 12920

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12920

Ser Val Ser Asp Lys Ser His

1 5

<210> 12921

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12921

Tyr Ser Thr Leu His Thr Ala

1 5

<210> 12922

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12922

Thr Lys Phe Gly Gly Ile Gln

1 5

<210> 12923

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12923

Asp Ile Pro Lys Gly Ser Ser

1 5

<210> 12924

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12924

Ile Leu Pro Ser Ser Ser Gln

1 5

<210> 12925

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12925

Val Ser Gln Thr Thr Ser Ser

1 5

<210> 12926

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12926

Thr Ile His Leu His Lys Asp

1 5

<210> 12927

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12927

Val Thr Asp Arg Val Gly Asn

1 5

<210> 12928

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12928

Leu Pro Ala Arg Ala Ala Asn

1 5

<210> 12929

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12929

His Thr Gln Ser Met Thr Val

1 5

<210> 12930

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12930

Leu Leu Asn Ser Ser Gln Leu

1 5

<210> 12931

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12931

Arg Asn Ser Glu Leu Arg Ala

1 5

<210> 12932

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12932

Gln Lys Ser Pro Asn Gly Leu

1 5

<210> 12933

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12933

Lys Ser Gly Asp His Leu Thr

1 5

<210> 12934

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12934

Gly Asn Arg Thr Thr Ser Ser

1 5

<210> 12935

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12935

Met Val Ala Leu Thr Val Gly

1 5

<210> 12936

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12936

Leu Ser Ser Asn Ser Pro Arg

1 5

<210> 12937

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12937

Ala Ser Asn Asn Gln Thr Tyr

1 5

<210> 12938

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12938

Asn Asn Ile Val Thr Thr Ser

1 5

<210> 12939

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12939

His Asp Thr Lys Lys Pro Met

1 5

<210> 12940

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12940

Ile Asn Thr Ala Ser Tyr Lys

1 5

<210> 12941

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12941

Ser Gly Met Val Ser Met Ser

1 5

<210> 12942

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12942

Leu Val Thr Ala Ser Ala Arg

1 5

<210> 12943

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12943

Ser Arg Ala Pro Ser Ala Met

1 5

<210> 12944

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12944

Asn Asn Asn Gln Lys Val Tyr

1 5

<210> 12945

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12945

Thr Ser Val Val Ala Asn Pro

1 5

<210> 12946

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12946

Gly Asn Ala Gly Pro Ser Leu

1 5

<210> 12947

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12947

Tyr Ser Thr Ser Leu Glu Leu

1 5

<210> 12948

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12948

Pro Ser Asn Pro Pro Lys Glu

1 5

<210> 12949

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12949

Thr Asn Ser Lys Pro Ser Trp

1 5

<210> 12950

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12950

Ser Ile Asp Arg Gln Gln Leu

1 5

<210> 12951

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12951

Asn Lys Ala Gly Pro Ala Ser

1 5

<210> 12952

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12952

Ser Met Thr Thr Asn Arg Ser

1 5

<210> 12953

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12953

Gly Asn Ser Ala Val Gln Leu

1 5

<210> 12954

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12954

Arg Ser Ser Asp Val Asn Thr

1 5

<210> 12955

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12955

His Asn Gly Val Gln Ser Val

1 5

<210> 12956

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12956

Glu Lys Asp His Gly Met Ala

1 5

<210> 12957

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12957

Tyr Arg Leu Pro Asp Gly Arg

1 5

<210> 12958

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12958

Ser Ser Arg Glu Leu Arg Leu

1 5

<210> 12959

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12959

Asn Gln Val Glu Ser Arg Val

1 5

<210> 12960

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12960

Ala Leu His Ser Val Pro Lys

1 5

<210> 12961

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12961

Thr Gly Pro Ser Thr Val Pro

1 5

<210> 12962

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12962

Glu Pro Leu Gly Val His Pro

1 5

<210> 12963

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12963

Thr Arg Thr Asp Thr Thr Asn

1 5

<210> 12964

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12964

Ser His Asn Leu Thr Ala Asp

1 5

<210> 12965

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12965

Asn Val Arg Arg Asp Asp Thr

1 5

<210> 12966

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12966

Phe Ala Ala Asn Leu Val Ala

1 5

<210> 12967

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12967

Ile Gly Ala Gln Ala Arg Met

1 5

<210> 12968

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12968

Asn Ser Met Ser Lys Ala Tyr

1 5

<210> 12969

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12969

Asn Val Asn Lys Asp Arg Val

1 5

<210> 12970

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12970

Ser Phe Gln Gly Ser Ala Arg

1 5

<210> 12971

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12971

Ala Asn Ser Asp His Ile His

1 5

<210> 12972

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12972

Val Ser Leu Ala Ser Lys Ser

1 5

<210> 12973

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12973

Pro Lys Asp Arg Ala Thr Ser

1 5

<210> 12974

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12974

Val Arg Ser Gln Ser Asp Ser

1 5

<210> 12975

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12975

Leu Gly Asn Ser Val Phe Lys

1 5

<210> 12976

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12976

Ser Thr Lys Glu Ser Pro Lys

1 5

<210> 12977

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12977

Leu Gln Pro Thr Thr Phe Ser

1 5

<210> 12978

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12978

Pro Met His Thr Ala Met Val

1 5

<210> 12979

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12979

Val Phe Ala His Thr Gly Leu

1 5

<210> 12980

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12980

Gln Lys Ala Thr Ser Ile His

1 5

<210> 12981

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12981

Gly Ser Lys Ser Asp Asn Leu

1 5

<210> 12982

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12982

Ser Gly Thr Asn Val Val Ser

1 5

<210> 12983

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12983

Thr Lys Leu Thr Thr Leu Ser

1 5

<210> 12984

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12984

Pro Ile Leu His Asn Gln Ile

1 5

<210> 12985

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12985

Val Thr Asn Pro Ile Lys Pro

1 5

<210> 12986

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12986

Thr Asn Ala Leu His Met Lys

1 5

<210> 12987

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12987

Val Ala His Ala Tyr Pro Ala

1 5

<210> 12988

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12988

Ala Glu His Gly Leu Gly Pro

1 5

<210> 12989

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12989

Met Asn Lys Tyr Ser Pro Ala

1 5

<210> 12990

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12990

Thr Met Gln Asp Arg Leu Thr

1 5

<210> 12991

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12991

Gly Val Lys Ile Leu Asn Ser

1 5

<210> 12992

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12992

Ala Gln Asn Lys Met Thr Ser

1 5

<210> 12993

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12993

Thr Ser Ala Leu Thr Asp Ile

1 5

<210> 12994

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12994

Asp Leu Arg His Ala Asp Ile

1 5

<210> 12995

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12995

Gln Asn Lys Ala Leu Thr Val

1 5

<210> 12996

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12996

Thr Gln Gly Ile Thr Ile Val

1 5

<210> 12997

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12997

Thr Ala Thr Ile Leu Ser Gly

1 5

<210> 12998

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12998

Phe Ala Ala Ser Asn Ile Ser

1 5

<210> 12999

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 12999

Arg Asn Thr Met Glu Thr Met

1 5

<210> 13000

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13000

Ser Ser Gly Thr Ser Tyr Ser

1 5

<210> 13001

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13001

Ala Asn His Gly Leu Asn Ala

1 5

<210> 13002

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13002

Met Leu Ser Asn Ser Arg Ser

1 5

<210> 13003

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13003

Ala Ala Ile His Ala Thr Pro

1 5

<210> 13004

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13004

Trp Gln Ser Phe Ala Ser Ala

1 5

<210> 13005

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13005

Met Gly Gly Asn Ser Ser Thr

1 5

<210> 13006

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13006

Lys Thr Asp Leu Ala Gln His

1 5

<210> 13007

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13007

Val Asn Thr Thr Arg Phe Ser

1 5

<210> 13008

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13008

Asn Val His Ala His Gln Ala

1 5

<210> 13009

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13009

Gly Ala Met Ser Ile Gln Thr

1 5

<210> 13010

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13010

Ala Arg Gly Pro Thr Ile Val

1 5

<210> 13011

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13011

Thr Met His Ser Lys Ser Asp

1 5

<210> 13012

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13012

Thr Val Thr Gln Thr Thr Gln

1 5

<210> 13013

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13013

Gly Asn Thr Asn Ser Leu Thr

1 5

<210> 13014

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13014

Arg Val Ile Ala Ser Val Asn

1 5

<210> 13015

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13015

Pro Ser Ser Gly Asn Ser Glu

1 5

<210> 13016

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13016

Gln Pro His Gly Phe Thr Ala

1 5

<210> 13017

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13017

Thr Thr Gly Thr Asn Met Arg

1 5

<210> 13018

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13018

Phe Thr Arg Leu Glu Asp Arg

1 5

<210> 13019

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13019

Asp Arg Ser Pro Ala His Thr

1 5

<210> 13020

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13020

His Val His Asn Thr Val Pro

1 5

<210> 13021

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13021

Met Asn Thr Thr Gly Thr Lys

1 5

<210> 13022

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13022

Phe Ala Thr Gln Thr Ile Ala

1 5

<210> 13023

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13023

Val Ser Gly Asn Ile Pro Val

1 5

<210> 13024

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13024

Asp Gly Arg Asn Ile Ala Pro

1 5

<210> 13025

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13025

Met Leu Pro Thr Val Asn Arg

1 5

<210> 13026

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13026

Pro Thr Thr Asn Val Leu Gly

1 5

<210> 13027

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13027

Arg Glu Met His Gly Thr Leu

1 5

<210> 13028

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13028

Ser Pro Tyr Ser Thr Arg Pro

1 5

<210> 13029

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13029

Tyr Asn Met Asn Thr Glu Met

1 5

<210> 13030

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13030

Gly Ala Arg Met Gly His Ser

1 5

<210> 13031

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13031

Phe Ser Pro Gly Tyr Val Pro

1 5

<210> 13032

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13032

Gln Gln His Ile Pro Pro Ser

1 5

<210> 13033

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13033

Leu Ser Thr Ser Leu Ser Pro

1 5

<210> 13034

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13034

Val Asn Gly Ile Lys Glu Tyr

1 5

<210> 13035

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13035

Gly Val Arg Thr Glu Pro Met

1 5

<210> 13036

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13036

Arg Asn Asn Asp Ser Leu Thr

1 5

<210> 13037

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13037

Phe Asn Ala Ser Pro Lys Leu

1 5

<210> 13038

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13038

Gly Leu Thr Thr Ser Thr Thr

1 5

<210> 13039

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13039

Met Ile Arg Gly Thr Ser Ser

1 5

<210> 13040

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13040

Thr Lys Leu Val Ala Thr Val

1 5

<210> 13041

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13041

Val Ser Arg Gln Phe Glu Pro

1 5

<210> 13042

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13042

Asn Gly Asp Ser Leu Arg Pro

1 5

<210> 13043

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13043

Thr Gln Asn Leu Ser Ser His

1 5

<210> 13044

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13044

Thr Val Thr Gly Ser Leu Val

1 5

<210> 13045

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13045

Gly Arg Gly Pro Glu Ala Gln

1 5

<210> 13046

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13046

Pro Arg Asn Val Gly Leu Glu

1 5

<210> 13047

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13047

Phe Asn Ser Ser Ile Pro Thr

1 5

<210> 13048

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13048

Gly Asn Gln Gln His Ser Ser

1 5

<210> 13049

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13049

Pro Ile Thr Asn Gly Ser Phe

1 5

<210> 13050

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13050

Val Gln Arg Thr Pro Leu Thr

1 5

<210> 13051

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13051

Thr Pro Tyr Ala Gly Arg Ala

1 5

<210> 13052

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13052

Leu Ala Leu Ser Asn Arg Thr

1 5

<210> 13053

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13053

Gly Gln Met Ala Thr Gly Leu

1 5

<210> 13054

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13054

Ser Asn Pro Ala Thr Thr Thr

1 5

<210> 13055

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13055

Gly Arg Thr Thr Ser Asp Ser

1 5

<210> 13056

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13056

Ser Arg Leu Thr Ser Leu Gly

1 5

<210> 13057

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13057

His Leu Ser Thr Pro Asp Leu

1 5

<210> 13058

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13058

Met Pro His Ala Pro Thr Ser

1 5

<210> 13059

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13059

Val Ala Gly Met Leu Thr His

1 5

<210> 13060

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13060

Val Ala Ser Gln Lys Leu Asn

1 5

<210> 13061

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13061

Thr Gln Ser Met Thr Ser Arg

1 5

<210> 13062

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13062

Pro Ile Ser Thr Met Ser Leu

1 5

<210> 13063

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13063

Ala Gln Leu Asn Ser Ala Gly

1 5

<210> 13064

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13064

His Leu Pro Lys Tyr Glu His

1 5

<210> 13065

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13065

Gly Val Gln Ala Val Val Gly

1 5

<210> 13066

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13066

Gly Asp Thr Gln Tyr Ala Arg

1 5

<210> 13067

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13067

Ala Ser Pro Leu Val Met Ser

1 5

<210> 13068

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13068

Ser Asn Ala Gly Met Ser Lys

1 5

<210> 13069

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13069

Arg Ser Val Ser Ala Val Pro

1 5

<210> 13070

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13070

Pro Ser Tyr His Lys Ser Pro

1 5

<210> 13071

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13071

His Gln Phe Thr Ser Ser Ala

1 5

<210> 13072

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13072

Asn Gln Ser Pro Ile Gly Ala

1 5

<210> 13073

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13073

Gly Ala Ala Gly Met Ser Arg

1 5

<210> 13074

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13074

Thr Val Lys Thr Tyr Ser Ala

1 5

<210> 13075

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13075

Leu Ser Met Thr Ser Gln Met

1 5

<210> 13076

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13076

Gly Leu Ser Pro Thr Phe Gly

1 5

<210> 13077

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13077

Met Asp Thr Val Met Lys Gly

1 5

<210> 13078

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13078

Arg Asp Lys Ile Ser Thr Tyr

1 5

<210> 13079

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13079

Asp Ser Asn Ser Tyr Val Arg

1 5

<210> 13080

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13080

Ser Leu Lys Ser Ser Pro Phe

1 5

<210> 13081

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13081

Leu Asp Arg Thr Ala Lys Pro

1 5

<210> 13082

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13082

Pro Ser Arg Ala Pro Asp Pro

1 5

<210> 13083

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13083

Tyr Leu Asn Gln Ile Arg Ser

1 5

<210> 13084

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13084

Gln Asn Arg Ser Val Val Glu

1 5

<210> 13085

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13085

Gln Glu Ser Met Val Lys Tyr

1 5

<210> 13086

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13086

Lys Leu Ser Gln Glu Ser Asn

1 5

<210> 13087

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13087

Arg Gly Thr Met Glu His Asp

1 5

<210> 13088

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13088

Gln Ser Gly Pro Gly Ile Val

1 5

<210> 13089

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13089

Leu Asn Gln Gly Asp Leu Leu

1 5

<210> 13090

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13090

Ala Lys Thr Ile Gly Ser Thr

1 5

<210> 13091

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13091

Asp Ser Gly Asn Arg Thr Ser

1 5

<210> 13092

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13092

Leu Ser His Ser Thr Ser Phe

1 5

<210> 13093

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13093

Gly Asp Phe Ser Ser Lys Gln

1 5

<210> 13094

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13094

Asp His Ser Asn Ala Tyr Arg

1 5

<210> 13095

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13095

Val Pro Thr Asp Arg Pro Arg

1 5

<210> 13096

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13096

Ser Met Gln Leu Ile Asn Glu

1 5

<210> 13097

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13097

Tyr Ala Asn Ser Val Gly Leu

1 5

<210> 13098

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13098

Val Tyr Leu Ala Ser Gly Gly

1 5

<210> 13099

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13099

Leu Ile Pro Val Thr Ser Val

1 5

<210> 13100

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13100

Gly Asn Met Asn Ser Arg Thr

1 5

<210> 13101

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13101

Ser His Asn Asp Arg Ser Leu

1 5

<210> 13102

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13102

His Arg Ile Pro Thr Ala Gly

1 5

<210> 13103

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13103

Met Gly Lys Asp Tyr Thr His

1 5

<210> 13104

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13104

Ser His Ala Ser Thr Pro Ile

1 5

<210> 13105

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13105

Leu Asn Ser Gln Thr Arg Ser

1 5

<210> 13106

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13106

Arg Thr Leu Ser Asp Ser Val

1 5

<210> 13107

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13107

Leu Thr Thr Ala Lys Thr Phe

1 5

<210> 13108

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13108

Arg Ile Val Gly Ser Thr Ser

1 5

<210> 13109

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13109

Thr Lys Thr Leu Ala Leu His

1 5

<210> 13110

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13110

Trp Glu Val Pro Ala Arg Asn

1 5

<210> 13111

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13111

Ile Ser Asn Pro Ala Ile Ala

1 5

<210> 13112

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13112

Leu Gly Ala Ser Gln Thr Ser

1 5

<210> 13113

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13113

Leu Ser Thr His Asn Ser Val

1 5

<210> 13114

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13114

Arg His Thr Asp Ile Asp Thr

1 5

<210> 13115

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13115

Gly Arg Pro Val Ile Ala Ala

1 5

<210> 13116

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13116

Ala Asn Leu Arg Asp Gly Val

1 5

<210> 13117

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13117

Val Gln Ser Pro Ser Ile Thr

1 5

<210> 13118

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13118

Phe Thr Ser Gly Ser His Leu

1 5

<210> 13119

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13119

Pro Leu Gln Gln Ser Gly His

1 5

<210> 13120

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13120

Ala Arg Val Ala Thr Thr Leu

1 5

<210> 13121

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13121

Pro Gly Arg Gln Asn Asp Ala

1 5

<210> 13122

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13122

Lys Tyr Ser Ser Thr Ala Ile

1 5

<210> 13123

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13123

His Ser Thr His Tyr Ile Ala

1 5

<210> 13124

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13124

Gln Pro Leu Asn Ala Leu Pro

1 5

<210> 13125

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13125

Lys Thr Gln Glu Thr Gly Asn

1 5

<210> 13126

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13126

Ser Glu Leu Ser Arg His Ala

1 5

<210> 13127

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13127

Gly Pro Lys Thr Ile Ser Thr

1 5

<210> 13128

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13128

Ser His Ser Ile Val Asn Pro

1 5

<210> 13129

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13129

His Ser Asn Thr Val Ser Ser

1 5

<210> 13130

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13130

Val Ala Gly Leu Thr Val Gln

1 5

<210> 13131

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13131

Ala Asn Pro Gly Leu Ala Asn

1 5

<210> 13132

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13132

Ala Ser Val Gln Met Thr Leu

1 5

<210> 13133

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13133

Leu Val Thr Ala Gln Gly Pro

1 5

<210> 13134

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13134

Thr Thr Arg Tyr Thr Ser Pro

1 5

<210> 13135

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13135

Met Asp Thr Asp Lys Pro Arg

1 5

<210> 13136

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13136

Gly Thr Ser Val Gln Asp Arg

1 5

<210> 13137

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13137

Arg Ala Ser Pro Gln Gln Tyr

1 5

<210> 13138

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13138

Val Ser Ser Glu His Arg Ile

1 5

<210> 13139

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13139

Ser Asn Met Lys Ile Gln Pro

1 5

<210> 13140

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13140

Asn Leu Arg Ile Glu Pro Met

1 5

<210> 13141

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13141

Pro Thr Glu Ser Leu Arg Val

1 5

<210> 13142

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13142

Thr Asn Arg Gly Leu Ala Leu

1 5

<210> 13143

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13143

His Glu Lys Thr Ala Tyr Ile

1 5

<210> 13144

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13144

Asn Val Ile Ser Lys Asn Leu

1 5

<210> 13145

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13145

Gly Thr Ala Gly Phe Ser Ser

1 5

<210> 13146

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13146

Ile Ala Gln Met Gly Val Lys

1 5

<210> 13147

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13147

Thr Ser Lys Asp Val Lys Asp

1 5

<210> 13148

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13148

Ile Ile Gly Ala Arg Asp Ile

1 5

<210> 13149

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13149

Leu Arg Asp Thr Gly Leu Gly

1 5

<210> 13150

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13150

Leu Ser Asn Ser Leu Gly Gln

1 5

<210> 13151

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13151

Asn Val Leu Asn Ser Arg Gly

1 5

<210> 13152

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13152

Phe Arg Gly Ser Gly Ser Pro

1 5

<210> 13153

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13153

Asn Pro Glu Leu Pro Arg Gln

1 5

<210> 13154

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13154

Thr Ser Ser Ser Phe Lys Glu

1 5

<210> 13155

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13155

Asn Arg Glu Tyr Met Thr His

1 5

<210> 13156

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13156

Thr Pro Gly Val Ala His Pro

1 5

<210> 13157

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13157

Thr Gln Ser Ser Glu Gly Pro

1 5

<210> 13158

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13158

Arg Gly Glu Pro Ile Val Ser

1 5

<210> 13159

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13159

Ser Leu Thr Ser Leu Asn Ser

1 5

<210> 13160

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13160

Thr Val Leu His Thr Arg Gln

1 5

<210> 13161

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13161

Leu Ser Lys Ser Gly Ala Asp

1 5

<210> 13162

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13162

Ala Asn Gly Asn Gln Ser Leu

1 5

<210> 13163

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13163

Phe Val Thr Ser Ser Ser Gly

1 5

<210> 13164

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13164

Gly Ala Asn Asn His Thr Arg

1 5

<210> 13165

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13165

His Ala Ser Asp Val Asn Asn

1 5

<210> 13166

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13166

Gly His His Thr Ser Asp Pro

1 5

<210> 13167

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13167

Asp Lys Asn Pro Gly Val His

1 5

<210> 13168

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13168

Ser Arg Asn Ser His Ile Glu

1 5

<210> 13169

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13169

Gln Ala Ser Ser Asp His Val

1 5

<210> 13170

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13170

Leu Arg Asp Thr Pro Tyr Asn

1 5

<210> 13171

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13171

Ser Leu Ala Ala Thr Arg Asp

1 5

<210> 13172

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13172

Gly His Val Asn Asn Ala Val

1 5

<210> 13173

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13173

Ile Gly Gly Leu Thr Thr Arg

1 5

<210> 13174

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13174

Ser Lys Glu Arg Asn Gly Gln

1 5

<210> 13175

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13175

Leu Asn Ser Gly Ser Ser Ala

1 5

<210> 13176

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13176

Thr Met Ser Thr Thr Tyr Glu

1 5

<210> 13177

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13177

Gly Ala Asp Asn Arg Ile Ser

1 5

<210> 13178

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13178

Thr Gln Asn Asn Gly Asp Val

1 5

<210> 13179

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13179

Asn Gly Pro Ser Val Leu Ser

1 5

<210> 13180

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13180

Thr Ala Leu Arg Asp Val Gly

1 5

<210> 13181

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13181

Arg Thr Met Gly Thr Thr Met

1 5

<210> 13182

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13182

Thr Arg Gly Thr Thr Val Glu

1 5

<210> 13183

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13183

Thr Val Ser Arg Val Gln Val

1 5

<210> 13184

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13184

Arg Leu Asp Thr Ser Ala Asp

1 5

<210> 13185

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13185

Leu Met Thr Lys Gly Leu Val

1 5

<210> 13186

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13186

Pro Met Arg Met Gln Thr Ala

1 5

<210> 13187

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13187

Val Val Leu Gly Ser Thr Ser

1 5

<210> 13188

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13188

Ser Asn Asn Gly Asn Gly His

1 5

<210> 13189

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13189

Arg Gly Pro Asp Leu Leu Asn

1 5

<210> 13190

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13190

Gly Phe Asn Ser Met Lys Pro

1 5

<210> 13191

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13191

Leu Asn Ser Asn Pro Met Asn

1 5

<210> 13192

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13192

Leu Ser Asn Arg Val Gln Ser

1 5

<210> 13193

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13193

Ser Arg Met Glu Gly Thr Val

1 5

<210> 13194

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13194

Ser Glu Gln Tyr Val Arg Val

1 5

<210> 13195

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13195

Ser Asn Leu Ala Asn Gln Pro

1 5

<210> 13196

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13196

Val Ser Met Gln Arg Pro Thr

1 5

<210> 13197

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13197

Phe His Gly Gln Gly Met Ser

1 5

<210> 13198

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13198

Thr Gly Ala Ile Asn Ala Pro

1 5

<210> 13199

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13199

Thr Leu Phe Lys Asn Gly Pro

1 5

<210> 13200

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13200

Val Val Pro Ile Ser Thr Asn

1 5

<210> 13201

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13201

Ala Lys Gly Thr Ala Leu Val

1 5

<210> 13202

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13202

Arg Asp Thr Val Gln Val Tyr

1 5

<210> 13203

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13203

Leu Gly Thr Lys Ala Thr His

1 5

<210> 13204

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13204

Asp Asn Val Arg Val Thr Ala

1 5

<210> 13205

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13205

Thr Arg Pro Gly Ser His Thr

1 5

<210> 13206

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13206

Ala Gln Leu Ala Pro Arg Ala

1 5

<210> 13207

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13207

Ser Thr Met Arg Thr Ser Leu

1 5

<210> 13208

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13208

Met Asn Gln Thr Ser Ala Lys

1 5

<210> 13209

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13209

Ser Arg Ser Ser Pro Thr Ile

1 5

<210> 13210

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13210

Ser Ala Leu Asn Gln Tyr Pro

1 5

<210> 13211

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13211

Ile Ser Thr Thr Thr Arg Asn

1 5

<210> 13212

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13212

Ser Arg Asp Thr Pro Ser Gly

1 5

<210> 13213

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13213

Asn Phe Asn Lys Gln Gly Leu

1 5

<210> 13214

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13214

Pro Ser Asn Thr Ser Ser Val

1 5

<210> 13215

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13215

Thr Val Ser Thr Asn Ala Arg

1 5

<210> 13216

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13216

Asn Met Ser Gln Thr Val Ala

1 5

<210> 13217

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13217

Ile Gly Lys Ser Ser Thr Pro

1 5

<210> 13218

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13218

Arg Glu Thr Glu Thr Gly Arg

1 5

<210> 13219

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13219

Pro Tyr Thr Pro Leu Thr Gly

1 5

<210> 13220

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13220

Ala Glu Tyr Asn Thr Gly Val

1 5

<210> 13221

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13221

Gly Arg Asn Ala Glu Thr Arg

1 5

<210> 13222

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13222

Thr Phe Asn His Thr Thr Asp

1 5

<210> 13223

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13223

Thr His Leu Ser Thr Leu Gly

1 5

<210> 13224

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13224

Leu Lys Gly Ile Ser Gln His

1 5

<210> 13225

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13225

Tyr Ser Ser Gly Met Thr Thr

1 5

<210> 13226

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13226

Thr Ala Ile Thr Met Thr Ser

1 5

<210> 13227

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13227

Arg Gly Asn Glu Leu Asn Thr

1 5

<210> 13228

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13228

Val Val Ser Ser Gln Met Ala

1 5

<210> 13229

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13229

His Gln His Glu Asn Met Val

1 5

<210> 13230

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13230

Ser Phe Gly Gly Val Pro Lys

1 5

<210> 13231

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13231

Leu Met Arg Asp Ser Lys Ser

1 5

<210> 13232

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13232

Met Arg Thr Asn Leu Ser Met

1 5

<210> 13233

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13233

Pro Asn Asn Pro Val Val Pro

1 5

<210> 13234

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13234

Arg Val Ser Gln Ser Met Gly

1 5

<210> 13235

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13235

Ala Glu Gly Pro Gln Lys Thr

1 5

<210> 13236

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13236

Leu Asn Ser Val Val His Thr

1 5

<210> 13237

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13237

Leu Leu Thr Leu Asn Ser Ala

1 5

<210> 13238

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13238

Thr Leu Ala Pro Arg Arg Asp

1 5

<210> 13239

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13239

Arg Val Ala Asn Pro Ala Thr

1 5

<210> 13240

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13240

Leu Pro Asp Pro Arg Leu Gln

1 5

<210> 13241

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13241

Lys Met Asp Val Gly Glu Ala

1 5

<210> 13242

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13242

Gly Pro Ser Pro Met Val Met

1 5

<210> 13243

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13243

Gly Thr Asn Lys Ala Thr Ala

1 5

<210> 13244

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13244

Leu Ser Ala His Gly Thr Thr

1 5

<210> 13245

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13245

Thr Ser Arg Tyr Asn Ser Ala

1 5

<210> 13246

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13246

Gly Pro Asn Ser Ser Phe Lys

1 5

<210> 13247

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13247

Ser Val Gly Arg Ala Pro Ile

1 5

<210> 13248

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13248

Phe Gln Gly Glu Lys Thr Trp

1 5

<210> 13249

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13249

Thr Ser Ser Ala Arg Thr Ile

1 5

<210> 13250

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13250

Ala Glu Arg Thr Gly Thr Ala

1 5

<210> 13251

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13251

Leu Asn Leu Gly Thr Pro Lys

1 5

<210> 13252

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13252

Ala Ala Pro Val Gly Ser Arg

1 5

<210> 13253

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13253

Met Arg Gln Ala Asn His Pro

1 5

<210> 13254

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13254

Glu Gln Gln Arg Asp Val Leu

1 5

<210> 13255

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13255

Pro Lys Ser Asp Glu Leu Thr

1 5

<210> 13256

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13256

Asn Ala Arg Val Gln Glu Thr

1 5

<210> 13257

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13257

Thr Thr Val Ala Thr Gln Ser

1 5

<210> 13258

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13258

Thr Glu Val Ser His Arg Pro

1 5

<210> 13259

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13259

Ser Ser Thr Val Lys Asn Val

1 5

<210> 13260

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13260

Ile Asp Ser His Leu Asn Arg

1 5

<210> 13261

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13261

Gly Ser Thr Gln Leu Ser Leu

1 5

<210> 13262

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13262

Asp Gly Ser Pro Ala Thr Lys

1 5

<210> 13263

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13263

Gln Thr Gly Asn Ser Gln Ala

1 5

<210> 13264

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13264

Arg Gln Asp Val Asn Val Ser

1 5

<210> 13265

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13265

Leu Asp Tyr Gly Val Lys Ser

1 5

<210> 13266

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13266

Gly Ser Arg Pro Glu Ala Pro

1 5

<210> 13267

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13267

Trp Ser Asn Met Thr Ala Ala

1 5

<210> 13268

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13268

Thr Asn Thr Thr Arg Ile Ser

1 5

<210> 13269

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13269

Pro Tyr Ala Glu Arg Gln Ala

1 5

<210> 13270

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13270

Thr Ser Ser Ala Thr Val Leu

1 5

<210> 13271

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13271

Ala Gln Thr Asp Phe Arg Gln

1 5

<210> 13272

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13272

Asn Ser Gly Asn Glu His Ser

1 5

<210> 13273

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13273

Lys Pro Leu Ile Asn Ala Thr

1 5

<210> 13274

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13274

Met Gly Ser Ser Ser Ala Phe

1 5

<210> 13275

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13275

Ile Gly Asn Lys Thr Ser Leu

1 5

<210> 13276

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13276

Ala Ala Asn Thr Ala Pro Lys

1 5

<210> 13277

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13277

Leu Val Asp Gln Arg Ala Thr

1 5

<210> 13278

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13278

Gln Val Lys Leu Gly Ser Thr

1 5

<210> 13279

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13279

Leu Thr Ser Asn Thr His Val

1 5

<210> 13280

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13280

Val Tyr Ser Ala Ile Asn Lys

1 5

<210> 13281

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13281

Arg Ala Asn Gly Ser Asp Leu

1 5

<210> 13282

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13282

Asn Leu Lys Ser Gln Thr Glu

1 5

<210> 13283

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13283

Ser Tyr Gly Asn Glu Ile Arg

1 5

<210> 13284

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13284

Leu Thr Arg Gly Ala Ile Gly

1 5

<210> 13285

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13285

Pro Ile Arg Thr Val Asp Thr

1 5

<210> 13286

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13286

Arg Ser Met Pro Asp Gly Ser

1 5

<210> 13287

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13287

Thr Ala His Thr Gly Pro Leu

1 5

<210> 13288

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13288

Ser Gln Gly Ser Pro Leu Ser

1 5

<210> 13289

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13289

Leu Gln Ala Ile Ala His Ser

1 5

<210> 13290

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13290

Gly Asn Ser Leu Ser Thr Ser

1 5

<210> 13291

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13291

Leu Thr His Arg Glu Ala Glu

1 5

<210> 13292

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13292

Thr Leu His Leu Ala Lys Glu

1 5

<210> 13293

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13293

Asn Ile Ser Ser Ser Gly Lys

1 5

<210> 13294

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13294

Gly Arg His Met Val Met Glu

1 5

<210> 13295

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13295

Gly Glu Arg Phe Gly Gly Pro

1 5

<210> 13296

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13296

Tyr Ser Gly Ser Ser Thr Lys

1 5

<210> 13297

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13297

Lys Glu Ser Val Ser Ala Asn

1 5

<210> 13298

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13298

Ile Thr Ser Asp Gly Lys Pro

1 5

<210> 13299

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13299

Gly His Asp Ala Arg Val Val

1 5

<210> 13300

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13300

Thr Ser Ser Asn Gly Val Arg

1 5

<210> 13301

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13301

Asn His Gln Asn Arg Ser Leu

1 5

<210> 13302

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13302

Arg Val Pro Glu Gln Asn Val

1 5

<210> 13303

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13303

Ser Ala Gln Leu Arg Ser Ser

1 5

<210> 13304

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13304

His Ala Lys Ser Glu Thr Tyr

1 5

<210> 13305

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13305

Leu Leu Thr Gln Val Glu Thr

1 5

<210> 13306

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13306

Thr Lys Thr Ala Asp Thr Tyr

1 5

<210> 13307

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13307

Val Met Pro Ala Thr Leu Ser

1 5

<210> 13308

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13308

Tyr Gln Ala Asn Asn Leu Ile

1 5

<210> 13309

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13309

Val Arg Val Pro Asp Ser Ser

1 5

<210> 13310

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13310

His Gln Thr Gly Ser Gly Phe

1 5

<210> 13311

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13311

Ser Ala Thr Leu Ser Gly Tyr

1 5

<210> 13312

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13312

Asn Gly Ser Ala Thr Tyr Ser

1 5

<210> 13313

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13313

Ser Thr Arg Pro Thr Leu Thr

1 5

<210> 13314

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13314

Arg Pro Ala Asp Val Ser Gln

1 5

<210> 13315

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13315

Ser His Leu Ser Ser Thr Gly

1 5

<210> 13316

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13316

Ala Asn Gln Ser Tyr Asp Arg

1 5

<210> 13317

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13317

Ser Ser Gly Asp Arg Thr Ala

1 5

<210> 13318

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13318

Gly Ser Val Pro Gly Leu Asn

1 5

<210> 13319

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13319

Leu Val Thr Ile His Ser Ala

1 5

<210> 13320

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13320

Pro Gln His Glu Thr Thr Leu

1 5

<210> 13321

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13321

Pro Thr Lys Ser Ala Gln Tyr

1 5

<210> 13322

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13322

Lys Lys Asp Pro Val Leu Gly

1 5

<210> 13323

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13323

Phe Arg Val Gly Pro Ser Ala

1 5

<210> 13324

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13324

Thr Ser Ser Gly His Ala Val

1 5

<210> 13325

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13325

Arg Val Gly Glu Ala Arg Met

1 5

<210> 13326

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13326

Arg Val Thr Ser Pro Ser Lys

1 5

<210> 13327

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13327

Asp Arg Met Pro Ser Thr Ile

1 5

<210> 13328

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13328

Gln Gly Asp Thr Ser Lys His

1 5

<210> 13329

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13329

Ser Thr Ser Ser Asn Arg Ala

1 5

<210> 13330

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13330

Lys Val Pro Thr Gly Tyr Thr

1 5

<210> 13331

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13331

Phe Lys Gly Gln Arg Asn Asp

1 5

<210> 13332

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13332

Gly Asn His Leu Gly Asn Glu

1 5

<210> 13333

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13333

Ala Ser Lys Ser Phe Glu Leu

1 5

<210> 13334

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13334

Thr Val Arg Asp Thr Thr Arg

1 5

<210> 13335

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13335

Lys Val Ser Pro Asn Thr Leu

1 5

<210> 13336

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13336

Gly Arg Thr Pro Glu Ser Tyr

1 5

<210> 13337

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13337

Gln Val Ser Gly Val Arg Thr

1 5

<210> 13338

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13338

Tyr Thr Gly Ile Ser Thr Ser

1 5

<210> 13339

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13339

Gln Thr Ala Glu Pro His Lys

1 5

<210> 13340

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13340

Leu Gly Pro Val Gly Ser Pro

1 5

<210> 13341

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13341

Ala Arg Asp Asp Ser Thr Asp

1 5

<210> 13342

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13342

Asn Phe Lys His Ser Glu Val

1 5

<210> 13343

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13343

Ile Thr Thr Pro Leu Gln Ala

1 5

<210> 13344

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13344

Pro Met Ser Ser Arg Glu Arg

1 5

<210> 13345

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13345

Val Glu Asn Gly Lys Gly Leu

1 5

<210> 13346

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13346

Thr Ser Asn Ser Gly Leu Ala

1 5

<210> 13347

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13347

Gly Asn Ser Leu Ala Asn Pro

1 5

<210> 13348

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13348

Ala Ser Asn Glu Ala His Ala

1 5

<210> 13349

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13349

Gly Leu Ala Gly Ser Thr Pro

1 5

<210> 13350

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13350

Val Pro Ala Pro Gly Arg Tyr

1 5

<210> 13351

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13351

Ala Ser Asp Arg Leu Ile Ala

1 5

<210> 13352

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13352

Ile Ser Thr Trp Gln Thr Gln

1 5

<210> 13353

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13353

Ile Thr Ser Gly Ala Thr Val

1 5

<210> 13354

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13354

Leu Ala Lys Ala Ser Asn Val

1 5

<210> 13355

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13355

Pro Gln Gly Thr Phe Gly Ser

1 5

<210> 13356

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13356

Ile Val Arg Pro Pro Asn Ser

1 5

<210> 13357

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13357

Thr Ser His Leu Thr Ser Ala

1 5

<210> 13358

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13358

Leu His Pro Glu Thr Met Arg

1 5

<210> 13359

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13359

Val Leu His Asp Thr Arg Tyr

1 5

<210> 13360

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13360

Val Ser Asn Pro Pro Arg Gly

1 5

<210> 13361

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13361

Glu Pro Leu Met Thr Arg Pro

1 5

<210> 13362

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13362

Asp Arg Val Ser Ser Ser His

1 5

<210> 13363

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13363

Thr Lys Thr Gly His Ser Ser

1 5

<210> 13364

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13364

Ser Ser Tyr Ser Pro Val Thr

1 5

<210> 13365

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13365

Lys Pro Asn Leu Gln Asn Asn

1 5

<210> 13366

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13366

Leu Lys Ser Pro Pro Gly Ile

1 5

<210> 13367

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13367

Gly Met Gln Leu Gly Met Pro

1 5

<210> 13368

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13368

His Gln Ala Asn Leu Thr Leu

1 5

<210> 13369

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13369

Thr Gly His Pro Thr Thr Ala

1 5

<210> 13370

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13370

Phe Ile Gly Ser His Leu Gly

1 5

<210> 13371

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13371

Arg Asn Glu Ser Asn Gly Pro

1 5

<210> 13372

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13372

Lys Ile Glu Thr Asn Gly Asn

1 5

<210> 13373

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13373

Tyr Leu Gln Asn Gly Val Val

1 5

<210> 13374

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13374

Arg Pro Gly Met Leu Gly Thr

1 5

<210> 13375

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13375

Leu Thr Gln Ile Gly Thr Ala

1 5

<210> 13376

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13376

Asn Glu Asp Val Gln Arg Ala

1 5

<210> 13377

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13377

His Leu Ala Asp Gln Ser Arg

1 5

<210> 13378

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13378

Leu Gly Asn Asp Thr Val Arg

1 5

<210> 13379

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13379

Asn Asn His His Val Pro Pro

1 5

<210> 13380

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13380

Asp Lys Ala Gly Thr Leu Ser

1 5

<210> 13381

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13381

Arg Thr Lys Asn Glu Ser Met

1 5

<210> 13382

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13382

Phe Asn Val Val Arg Gly Asp

1 5

<210> 13383

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13383

Ile Val Arg Gly Met Asn Gln

1 5

<210> 13384

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13384

Gln His Thr Pro Thr Leu Asn

1 5

<210> 13385

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13385

Ser Leu Gly Lys Glu Pro Leu

1 5

<210> 13386

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13386

Ser Ser Gly His Gly Leu Asn

1 5

<210> 13387

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13387

Arg Ile Asn Ser Asp Ser Thr

1 5

<210> 13388

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13388

Asn Pro His Asn His Pro Val

1 5

<210> 13389

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13389

Ser His Lys Pro Ser Thr Val

1 5

<210> 13390

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13390

Ser Ser Met Ser Thr Thr Tyr

1 5

<210> 13391

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13391

Gly Ala Ala Ala Ser Asn Pro

1 5

<210> 13392

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13392

Met Asn Gln Arg Glu Gln Lys

1 5

<210> 13393

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13393

Ser Tyr Pro Ser Asn Pro Arg

1 5

<210> 13394

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13394

Leu Arg Asp Phe Val Thr Asp

1 5

<210> 13395

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13395

Asn Asn Thr Val Met Arg Ser

1 5

<210> 13396

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13396

Leu Ser Pro Arg Lys Tyr Ile

1 5

<210> 13397

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13397

His Ile Arg Pro Pro Ser Pro

1 5

<210> 13398

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13398

Pro Tyr Val Ser Thr Thr Ala

1 5

<210> 13399

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13399

Val Asn His Gly Ser Pro Thr

1 5

<210> 13400

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13400

Ser Gly Tyr Leu Asn Gly Ala

1 5

<210> 13401

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13401

Ser Arg Glu Arg Thr Ser Asp

1 5

<210> 13402

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13402

Thr His Ser Val Thr Arg Ser

1 5

<210> 13403

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13403

Leu Val Ala Asn Lys Asn Ala

1 5

<210> 13404

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13404

Asn Phe Thr Asp Arg Ala Thr

1 5

<210> 13405

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13405

Tyr Arg Thr Ser Thr Leu Ala

1 5

<210> 13406

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13406

His Val Met Asn Lys Gln Ala

1 5

<210> 13407

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13407

Ala Thr Asn Asn Pro Ala Ser

1 5

<210> 13408

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13408

Thr Ile Met Lys Ala Gln Thr

1 5

<210> 13409

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13409

Gly Met Ser Thr Met Thr Pro

1 5

<210> 13410

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13410

Gly Thr Pro Ile Tyr Lys Gln

1 5

<210> 13411

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13411

Asn Gly Thr Leu Glu Lys Ala

1 5

<210> 13412

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13412

Ser Asn Glu Arg Thr Ile Pro

1 5

<210> 13413

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13413

Ile Pro Val Ser Ile Gln Ala

1 5

<210> 13414

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13414

Asn Leu Gln Arg Glu Gly Pro

1 5

<210> 13415

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13415

Gly Glu Gly Gly Lys Ser Asn

1 5

<210> 13416

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13416

Leu Gln Gly Asn Gly Arg Asn

1 5

<210> 13417

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13417

Leu Val Ser Ser Thr Ser Glu

1 5

<210> 13418

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13418

Ser Leu Ala Gly Asn Thr Thr

1 5

<210> 13419

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13419

Leu Thr Val Gly Asn Asn Val

1 5

<210> 13420

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13420

Ser Ile Leu Thr Arg Asp Ser

1 5

<210> 13421

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13421

Val Leu Val Asp Ser Arg Ala

1 5

<210> 13422

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13422

Gly Val Ala Ser Thr Thr Thr

1 5

<210> 13423

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13423

His Gly Ala Asn Leu Ser Val

1 5

<210> 13424

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13424

Ser Phe Asn Gln Pro Ser Val

1 5

<210> 13425

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13425

Leu Asn Gln Asn Gln Arg Val

1 5

<210> 13426

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13426

Arg Ile Asp Ser Gln Asp Thr

1 5

<210> 13427

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13427

Thr Val Pro Gly Arg Pro Ser

1 5

<210> 13428

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13428

Arg Glu Pro Asn Asn Thr Ser

1 5

<210> 13429

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13429

Glu Arg Met Thr Met His Ala

1 5

<210> 13430

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13430

Ile Ala Ile Gln Asn Asp Arg

1 5

<210> 13431

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13431

Leu Gly Ala Gln Ser Ile Ser

1 5

<210> 13432

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13432

Ala Gly Asp Lys Thr Tyr Val

1 5

<210> 13433

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13433

Met Asn Arg Thr Ala Tyr Thr

1 5

<210> 13434

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13434

Ala Leu Pro Gly Gly Leu Met

1 5

<210> 13435

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13435

Leu Lys Asn His Asp Thr Thr

1 5

<210> 13436

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13436

Pro Leu Asn Tyr Ala Leu Glu

1 5

<210> 13437

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13437

Ser Lys Gln Met His Asn Asp

1 5

<210> 13438

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13438

Thr Ala His Thr Thr Pro Phe

1 5

<210> 13439

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13439

Leu Lys Thr Gly Asp Ser Gln

1 5

<210> 13440

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13440

Tyr Ser Thr Thr Ala Glu Tyr

1 5

<210> 13441

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13441

Pro Leu Asp Arg Thr Gly Glu

1 5

<210> 13442

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13442

Gly Pro Gly Glu Val Lys Ile

1 5

<210> 13443

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13443

Leu Arg Asn Leu Asp Leu Asn

1 5

<210> 13444

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13444

Leu Gly Ser Thr Leu Thr Lys

1 5

<210> 13445

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13445

Leu Arg Pro Val Ser Glu His

1 5

<210> 13446

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13446

Ser Arg Ser Leu Thr Glu Met

1 5

<210> 13447

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13447

Asn Gly Leu Ser Thr Thr Met

1 5

<210> 13448

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13448

His Asp Lys Thr Tyr Ala Met

1 5

<210> 13449

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13449

Val Pro Ser Asp Lys Met Arg

1 5

<210> 13450

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13450

Gly Ala His Asn Leu Leu Thr

1 5

<210> 13451

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13451

Ser Thr Ser Thr Met Val Met

1 5

<210> 13452

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13452

Asn Met Ala His Glu Ser Lys

1 5

<210> 13453

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13453

Tyr Leu Gly Val Gly Ala Thr

1 5

<210> 13454

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13454

Ala Ser Glu Tyr Asn Gln His

1 5

<210> 13455

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13455

Arg Ala Glu Gly Asp Lys Ile

1 5

<210> 13456

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13456

Ser Ser Gly Ser Ser Phe His

1 5

<210> 13457

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13457

Trp Gly Lys Glu Tyr Thr Gly

1 5

<210> 13458

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13458

Pro Ala Ser Gly Ala Met Pro

1 5

<210> 13459

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13459

Arg Gly Ala Val Val Val Ala

1 5

<210> 13460

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13460

Val Met Met Gln Asn His Ala

1 5

<210> 13461

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13461

Gln Asp Arg Leu Gln Ser Arg

1 5

<210> 13462

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13462

Gly His Ala Ala Val Ser Val

1 5

<210> 13463

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13463

Asp Lys Thr Asp Ser Thr Pro

1 5

<210> 13464

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13464

Val Pro Pro Thr Ser Phe Thr

1 5

<210> 13465

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13465

Val Gly Pro Asn Ala Gln His

1 5

<210> 13466

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13466

His His Gly Arg Ala Asp Thr

1 5

<210> 13467

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13467

His Val Asn Met Gly Pro Ala

1 5

<210> 13468

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13468

His Ala Thr Lys Glu Thr Ser

1 5

<210> 13469

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13469

Leu Ala Thr Gly Val Ser Asn

1 5

<210> 13470

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13470

Ser Leu Gly Ser Tyr Pro Thr

1 5

<210> 13471

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13471

Gly Ser Lys Ala Tyr Val Gly

1 5

<210> 13472

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13472

Gln Asp Arg Met Ser Val Asn

1 5

<210> 13473

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13473

Trp Ser Asp Ser Leu Arg Asp

1 5

<210> 13474

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13474

Thr Lys Val Pro Met Thr Gln

1 5

<210> 13475

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13475

Ser Pro Leu Ser Asp Arg Leu

1 5

<210> 13476

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13476

Leu Tyr Gly Ser Ser Val Val

1 5

<210> 13477

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13477

Pro Thr Gln Thr Val Ser Ser

1 5

<210> 13478

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13478

Leu Asn Lys Leu Leu Gly Ala

1 5

<210> 13479

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13479

His Ser Asn Gln Glu Pro Arg

1 5

<210> 13480

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13480

Asn Gly Ala Ser Ile His Ser

1 5

<210> 13481

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13481

Leu Ser Gln Gln Arg Leu Gln

1 5

<210> 13482

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13482

Leu Pro His Gly Thr Met Asn

1 5

<210> 13483

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13483

Ser Ser Pro Asp Ala Lys Tyr

1 5

<210> 13484

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13484

Phe His Thr Pro Ala Gly Asn

1 5

<210> 13485

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13485

Arg Thr Thr Ala Asn Ser Leu

1 5

<210> 13486

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13486

Leu Asp Lys Thr Ile Pro Gln

1 5

<210> 13487

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13487

Trp Gln Gly Asn Arg Gln Ala

1 5

<210> 13488

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13488

Gly Tyr Gly Thr Ile Thr Pro

1 5

<210> 13489

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13489

Met Arg Glu Gln Asn Lys Ala

1 5

<210> 13490

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13490

Asn Leu Ala Gly Leu Thr Gly

1 5

<210> 13491

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13491

Trp Phe Lys Ala Gly Ser Ala

1 5

<210> 13492

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13492

Ile Asn Val Ala Pro Tyr Lys

1 5

<210> 13493

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13493

Gly Val His Ser Asn Gly Gln

1 5

<210> 13494

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13494

Met Ser Ala Ser Thr Asn Thr

1 5

<210> 13495

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13495

Gly Ser His Asn Ala Gln Gly

1 5

<210> 13496

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13496

Ile Ser Ala Val Pro Lys Asn

1 5

<210> 13497

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13497

Ala Gly Gly Gly Met Gln Asn

1 5

<210> 13498

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13498

Leu Leu Asn Thr Thr Ser Thr

1 5

<210> 13499

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13499

Thr Asn Thr Val Ser Ala Ser

1 5

<210> 13500

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13500

Gln Leu Ser Pro Ile Ala Met

1 5

<210> 13501

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13501

Ala Pro Arg Gly Val Asn Leu

1 5

<210> 13502

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13502

Leu Thr Arg Thr Ser Val Asp

1 5

<210> 13503

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13503

Leu Gly Gln Lys Ala Pro Thr

1 5

<210> 13504

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13504

Lys Asn Ala Pro Pro Leu Thr

1 5

<210> 13505

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13505

Val Arg Asn Ala Val His Ala

1 5

<210> 13506

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13506

Ile Arg His Met Asp Ala Pro

1 5

<210> 13507

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13507

Gly Ala Pro Leu Val Ala Thr

1 5

<210> 13508

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13508

Ser Asp His Asn Ala Arg Gly

1 5

<210> 13509

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13509

Ile Ser Asp Thr Leu His Tyr

1 5

<210> 13510

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13510

Asn Asn Arg Gly Ser Ile Ser

1 5

<210> 13511

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13511

Gln Arg Glu Arg Asp Gly Val

1 5

<210> 13512

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13512

Ser Lys Gln Asp Val Arg Ala

1 5

<210> 13513

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13513

Asn Ser Gly Arg Leu Asn Val

1 5

<210> 13514

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13514

Gly Pro Ser Val Glu Ser Asn

1 5

<210> 13515

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13515

Leu Leu Ser Ser Ser Pro Ser

1 5

<210> 13516

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13516

Lys Val Leu Val Ser Gly Ser

1 5

<210> 13517

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13517

Asp Val Arg Asn Thr Ile Ala

1 5

<210> 13518

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13518

His Lys Leu Val Thr Lys Asp

1 5

<210> 13519

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13519

Pro Tyr Val Ser Gly Val Pro

1 5

<210> 13520

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13520

Thr Thr Lys Ala Ser Phe Thr

1 5

<210> 13521

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13521

Thr Pro His Gly Pro Asp Ala

1 5

<210> 13522

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13522

Asp Tyr Arg Gln Thr Asp His

1 5

<210> 13523

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13523

His Ser Pro Lys Pro Asp His

1 5

<210> 13524

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13524

Ala Tyr Gly Gln Val Pro Pro

1 5

<210> 13525

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13525

Ser Asn Gln Gly Leu Ala Gly

1 5

<210> 13526

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13526

Ile Asn Ser Pro Ile Gly Asn

1 5

<210> 13527

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13527

Gln Asn Gln Ile Met Ser Gly

1 5

<210> 13528

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13528

Val Tyr Gln Gly Asn Gln Asn

1 5

<210> 13529

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13529

Gly Ser Asn Ser Gln His Thr

1 5

<210> 13530

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13530

Lys Gln Glu Pro Ser Asp Arg

1 5

<210> 13531

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13531

His Arg Ser Ser Pro Ala Ala

1 5

<210> 13532

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13532

Asn Glu Gly Asn Ser Met Lys

1 5

<210> 13533

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13533

Arg Pro Asp Lys Gly Pro Met

1 5

<210> 13534

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13534

Ala Ile Val Ser His Pro Leu

1 5

<210> 13535

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13535

Thr Gln Gly Glu Arg Pro Val

1 5

<210> 13536

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13536

Tyr Val Asn Ser Ala Pro Lys

1 5

<210> 13537

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13537

Pro Ser Gly Thr Ser Ile Val

1 5

<210> 13538

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13538

Ser Val Gly Ala Asn Arg Ser

1 5

<210> 13539

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13539

Ser Ala His Phe Asn His Ser

1 5

<210> 13540

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13540

Lys Val Asn Ser Ala His Leu

1 5

<210> 13541

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13541

Gly Phe Gly Asn Met Gly Ala

1 5

<210> 13542

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13542

Asn Leu Lys Pro Glu Thr Asp

1 5

<210> 13543

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13543

Pro Asn Ser Asn Thr Ala Phe

1 5

<210> 13544

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13544

His Asp Thr Leu Arg Thr Pro

1 5

<210> 13545

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13545

Arg Phe Pro Gln Ala Pro Pro

1 5

<210> 13546

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13546

Ser Ser Gly Asn Lys Ser Asp

1 5

<210> 13547

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13547

Met Ser Lys Met Ala Asp Arg

1 5

<210> 13548

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13548

Glu His Arg Glu Thr Ser Ile

1 5

<210> 13549

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13549

Ser Thr Glu Tyr Pro Val Pro

1 5

<210> 13550

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13550

Asp Lys Ser Met Asn Pro Ser

1 5

<210> 13551

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13551

Glu Tyr His Asn Asn Leu Lys

1 5

<210> 13552

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13552

Ile Phe Thr Asn Thr Gly His

1 5

<210> 13553

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13553

Lys Ser Asn Ser Pro Leu Ala

1 5

<210> 13554

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13554

Tyr Ser Ser Gly Tyr Asn Ala

1 5

<210> 13555

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13555

Gly Ser Lys Thr Gln Gly Asp

1 5

<210> 13556

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13556

Ile Val Ser Gly Ser Ser Gln

1 5

<210> 13557

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13557

Ser Leu Ile Asn Ser Thr Tyr

1 5

<210> 13558

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13558

Asn Met Lys Ile Gln His Val

1 5

<210> 13559

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13559

Asp Ser Thr Lys Leu Gly His

1 5

<210> 13560

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13560

Gln Ser His Gly Thr Ser Ser

1 5

<210> 13561

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13561

Lys Asp Asn Asn Arg Ser Ala

1 5

<210> 13562

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13562

Phe Gln Pro Ser Tyr Ala Ala

1 5

<210> 13563

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13563

Pro Thr Val Gln Met Lys Ala

1 5

<210> 13564

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13564

Ser Pro Thr Ser Ser Thr Phe

1 5

<210> 13565

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13565

Gly Arg Asp Ala Asn Val Pro

1 5

<210> 13566

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13566

Thr Leu Met Ser Thr Ser Pro

1 5

<210> 13567

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13567

Leu His Gly Ala Thr Thr Thr

1 5

<210> 13568

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13568

Arg Thr Asn Glu Val Met Arg

1 5

<210> 13569

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13569

Asp Asn Leu Arg Val Thr Ala

1 5

<210> 13570

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13570

Arg Gln Ala Gly Asp Gln Leu

1 5

<210> 13571

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13571

Val Gly Gln His Leu Thr His

1 5

<210> 13572

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13572

Leu Ser Ala Ala Ser Gly Ile

1 5

<210> 13573

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13573

Ser Ser His Asn Gly Phe Ile

1 5

<210> 13574

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13574

Asn Ala Thr Arg Gln Tyr Ser

1 5

<210> 13575

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13575

Val Ser Arg Gln Ser Leu Gly

1 5

<210> 13576

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13576

Asp Val Val Lys Pro His Gly

1 5

<210> 13577

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13577

Gly Ile Gly Gly Ile Ser Ser

1 5

<210> 13578

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13578

Thr Asn Asn Ser Leu Arg Glu

1 5

<210> 13579

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13579

Thr Arg Thr Ala Ser Ala Leu

1 5

<210> 13580

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13580

Thr Thr Thr Ala Pro Ser Pro

1 5

<210> 13581

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13581

Asn Ala Ser Met Ser Ser Ile

1 5

<210> 13582

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13582

Thr Gln Pro His Arg Gly Leu

1 5

<210> 13583

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13583

Arg Leu Asp His His Ser Ser

1 5

<210> 13584

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13584

Glu Asn Thr Thr Arg Ile Ala

1 5

<210> 13585

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13585

Ser Leu Arg Gly Asn Glu Ala

1 5

<210> 13586

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13586

Pro Asn Val Pro Ser His Ser

1 5

<210> 13587

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13587

Gly Met Pro Leu Met Lys Met

1 5

<210> 13588

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13588

Gln Lys Thr Glu Arg Thr Val

1 5

<210> 13589

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13589

Asn His Thr Asn His Ser Ser

1 5

<210> 13590

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13590

Gly Leu Gly Asn Arg Ser Ala

1 5

<210> 13591

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13591

Asp Leu Asp Lys Arg Gly Leu

1 5

<210> 13592

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13592

Leu Thr Asn Ala Gln Pro Asp

1 5

<210> 13593

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13593

Thr Lys Pro Asp Tyr Leu Val

1 5

<210> 13594

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13594

Lys Leu Gln Leu His Glu Val

1 5

<210> 13595

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13595

Thr Ser Val Thr Ile Ser Ser

1 5

<210> 13596

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13596

Asn Ser Ser Asn Arg Ala Glu

1 5

<210> 13597

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13597

Leu Glu His Gly Thr Arg Ile

1 5

<210> 13598

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13598

Thr Leu Gln Met Arg Glu His

1 5

<210> 13599

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13599

Gly Ser Pro Thr Ala Gln Thr

1 5

<210> 13600

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13600

Asn Lys Gly Gln Thr Leu Thr

1 5

<210> 13601

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13601

Ser Val Gly His Arg Asp Met

1 5

<210> 13602

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13602

Arg Asp Lys Ser Ser Met His

1 5

<210> 13603

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13603

Val Ser Val Ile Asn Asn Thr

1 5

<210> 13604

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13604

Leu Pro Asn Ser Ala Phe Ser

1 5

<210> 13605

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13605

Arg Thr Val Ser Thr Asp Asp

1 5

<210> 13606

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13606

Leu Met Asp Arg Met Ala Ser

1 5

<210> 13607

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13607

Pro Ser Gly Phe Asn Thr Leu

1 5

<210> 13608

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13608

Lys Ser Ala Gln Pro Met Ser

1 5

<210> 13609

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13609

Thr Gly Leu Ser Val Gln Lys

1 5

<210> 13610

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13610

His Gly Phe Pro Ala Gly Pro

1 5

<210> 13611

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13611

Ser Tyr Glu Ala Val Gly Ile

1 5

<210> 13612

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13612

Thr Ala Lys Gly Val Leu Ser

1 5

<210> 13613

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13613

Gly Ala Ser Thr His Asn Ala

1 5

<210> 13614

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13614

Ile Ile Lys Glu Ile Pro Ala

1 5

<210> 13615

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13615

Asn His Val Ile Ser Asn Gly

1 5

<210> 13616

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13616

Tyr Thr Asn Met Ala Gly Val

1 5

<210> 13617

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13617

Phe Asn Arg Ile Gly Ala Gly

1 5

<210> 13618

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13618

Trp Ser Thr Met Met Lys Ser

1 5

<210> 13619

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13619

Thr Ala Pro Ala Asn His Val

1 5

<210> 13620

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13620

Met His Gly Gly Ser Glu Leu

1 5

<210> 13621

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13621

Met Ser Arg Met Gly Val Ala

1 5

<210> 13622

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13622

Thr Arg Ile Ser Glu Val Leu

1 5

<210> 13623

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13623

Ser Gly Pro Gly Leu Arg Thr

1 5

<210> 13624

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13624

Asp Lys Arg His His Ala Glu

1 5

<210> 13625

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13625

Leu Thr Gln Asn Asp Arg Pro

1 5

<210> 13626

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13626

Ser Val Thr Thr Ser His Val

1 5

<210> 13627

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13627

Met Leu Thr Gly Gly Thr Asn

1 5

<210> 13628

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13628

Asp Asn Val Ala Asn Ala Gly

1 5

<210> 13629

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13629

Met Thr Thr Asn Ser Ile Ala

1 5

<210> 13630

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13630

Met Arg Thr Gln Ser Leu Ser

1 5

<210> 13631

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13631

Tyr Gly Ser Phe Thr Gly Gln

1 5

<210> 13632

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13632

Gly Pro Met Leu Leu Lys Ala

1 5

<210> 13633

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13633

Met Thr Gln Lys Ala Pro Val

1 5

<210> 13634

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13634

Ser Ala Asn Ala Thr Lys Leu

1 5

<210> 13635

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13635

Phe Asn Gly Ser Leu Ala Met

1 5

<210> 13636

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13636

Ile Val Asn Ala Lys Leu Thr

1 5

<210> 13637

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13637

Met Phe Ser Gly Leu Gln Ala

1 5

<210> 13638

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13638

Val Asp Tyr Arg Val Asn Gly

1 5

<210> 13639

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13639

Leu Ala Ser Ala Gly Asn Gly

1 5

<210> 13640

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13640

Arg Asp Leu His Ser Lys Asp

1 5

<210> 13641

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13641

Ser His Val Ser Arg Thr Ala

1 5

<210> 13642

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13642

Thr Pro Val Gln Ser Leu Ser

1 5

<210> 13643

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13643

Tyr Leu Asn Gly Ser Glu Leu

1 5

<210> 13644

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13644

Pro Ala Leu Lys Thr His Glu

1 5

<210> 13645

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13645

Asn Lys Ser Leu Thr Ser Asp

1 5

<210> 13646

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13646

Tyr Asn Ala Thr Lys Ser Ser

1 5

<210> 13647

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13647

Met Arg Asp Lys Ser His Asp

1 5

<210> 13648

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13648

His Arg Thr Glu Gly Gln Asn

1 5

<210> 13649

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13649

Leu His Lys Pro Asp Glu Phe

1 5

<210> 13650

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13650

Ile Ala Ala Arg Pro Pro Ser

1 5

<210> 13651

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13651

Thr Pro Thr His Tyr Ser His

1 5

<210> 13652

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13652

Ser Thr Phe Ser Ala Asp Arg

1 5

<210> 13653

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13653

Gln Ser Val Gln Val Thr Ala

1 5

<210> 13654

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13654

Leu Asp Ser Ser Arg Asn Arg

1 5

<210> 13655

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13655

Arg Gln Pro Gln Ser Thr Val

1 5

<210> 13656

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13656

Arg Val Asp Asp Gly Val Arg

1 5

<210> 13657

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13657

Lys Ile Thr Asn Thr Tyr Ser

1 5

<210> 13658

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13658

Pro Gly Lys Ala Thr Pro Pro

1 5

<210> 13659

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13659

Phe Ser Thr His Thr Pro Pro

1 5

<210> 13660

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13660

Leu Ala Pro Asn Met Arg Leu

1 5

<210> 13661

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13661

Asn Leu Pro Arg Thr Asn Val

1 5

<210> 13662

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13662

Glu Thr Ser Asn Val Asn Arg

1 5

<210> 13663

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13663

Gly Ser Thr Asp His Arg Leu

1 5

<210> 13664

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13664

Val Asn Thr Ala Met Pro Ala

1 5

<210> 13665

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13665

Met Val Ala Arg Asp Gln Asn

1 5

<210> 13666

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13666

Lys Asn Asn Pro Val Leu His

1 5

<210> 13667

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13667

Asp Ser Thr Thr Val Arg Leu

1 5

<210> 13668

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13668

Lys Leu Asn Val Met Asn Asp

1 5

<210> 13669

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13669

Ser Leu Arg Asp Lys Asn Ala

1 5

<210> 13670

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13670

Gly Val Gly Asn Ser Leu Ser

1 5

<210> 13671

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13671

Phe Ser Lys Thr Asn Phe Asn

1 5

<210> 13672

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13672

Ala Asn Arg Pro Ser Leu Pro

1 5

<210> 13673

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13673

Asp Ser Gln Thr Asn Arg Val

1 5

<210> 13674

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13674

Ile Ser Thr Ser Ser Pro Val

1 5

<210> 13675

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13675

Ile Leu Lys Ile Thr Glu Gly

1 5

<210> 13676

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13676

Phe Arg Pro Ala Ser Glu Ile

1 5

<210> 13677

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13677

Lys Lys Asp Ser Glu Pro Leu

1 5

<210> 13678

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13678

Asn Ala Arg Pro Leu Thr Ala

1 5

<210> 13679

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13679

Lys Ala Ala Arg Met Glu Thr

1 5

<210> 13680

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13680

His Ala Asn Val Ser Ser Arg

1 5

<210> 13681

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13681

Thr Ser Thr Thr Gln Thr Ser

1 5

<210> 13682

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13682

Ser Ala Leu Ser Leu Ser Pro

1 5

<210> 13683

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13683

Ala Asn Val Gln Ile Gln Ser

1 5

<210> 13684

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13684

Thr Pro Ser Ser Asn Ser Leu

1 5

<210> 13685

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13685

Thr Met Thr Gly Pro Gly His

1 5

<210> 13686

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13686

Ile Thr Ala Gln Ile Thr Asn

1 5

<210> 13687

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13687

Leu Pro Asn Pro Ser Ser Arg

1 5

<210> 13688

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13688

Lys Met Gly Thr Met Thr Pro

1 5

<210> 13689

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13689

Tyr Thr Asn Gly Arg Ile Asn

1 5

<210> 13690

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13690

Asp Gly Ser Asn Val Val Lys

1 5

<210> 13691

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13691

Leu Pro Leu Ser Ile Pro Ala

1 5

<210> 13692

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13692

Glu Ser Arg Leu Ser Ser Ser

1 5

<210> 13693

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13693

Met Ser Pro Ser Arg Gly Asn

1 5

<210> 13694

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13694

Ser Val His Ala Ala Lys Gln

1 5

<210> 13695

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13695

Ala Phe Ser Ser Gly Thr Ser

1 5

<210> 13696

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13696

Thr Gly Trp Ser Pro Ser Pro

1 5

<210> 13697

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13697

Ala Ser His Ser Ala Ser Gly

1 5

<210> 13698

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13698

Val Thr Pro Arg Ser Pro Leu

1 5

<210> 13699

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13699

Thr Glu Arg Asp Thr Ser Arg

1 5

<210> 13700

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13700

Tyr Thr Leu Thr Gly Thr Thr

1 5

<210> 13701

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13701

Asp Leu Arg Val Ser Arg Asp

1 5

<210> 13702

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13702

Leu Ile Ala Ser His Thr Ala

1 5

<210> 13703

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13703

Gln Arg Ser Glu Asn Ser His

1 5

<210> 13704

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13704

Ser Ala Ser Asn Gln Thr Tyr

1 5

<210> 13705

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13705

Leu Glu Lys Val Leu Gln Pro

1 5

<210> 13706

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13706

Asn Ser Gly Pro Leu Val Ile

1 5

<210> 13707

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13707

Gly Thr Ile His Ser Pro Val

1 5

<210> 13708

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13708

Asn Lys Asn Gly Glu Val Leu

1 5

<210> 13709

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13709

Pro Met Asn Glu Arg Glu Arg

1 5

<210> 13710

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13710

Gly Ser Asn Asn Leu His Pro

1 5

<210> 13711

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13711

Met Ser Leu His Ala Lys Ser

1 5

<210> 13712

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13712

Gln Glu Lys Ala Leu Ala Arg

1 5

<210> 13713

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13713

Asp Arg Ser Thr His Ala Lys

1 5

<210> 13714

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13714

Ile Val Arg Gly Asp Thr Ser

1 5

<210> 13715

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13715

Ser Ser Gly Gly Met Asn Glu

1 5

<210> 13716

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13716

Lys Leu His Ala Val Glu Ala

1 5

<210> 13717

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13717

Met Phe Ala Glu Gly Thr Val

1 5

<210> 13718

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13718

Thr Leu Gly Arg Val Pro Gln

1 5

<210> 13719

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13719

Leu Leu Gly Asn Lys Asp Lys

1 5

<210> 13720

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13720

Arg Val Asn Thr Ser Thr Asp

1 5

<210> 13721

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13721

Pro Gln Gly Val Ser Pro Ala

1 5

<210> 13722

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13722

Gly Ala Val Leu Ser Lys Ala

1 5

<210> 13723

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13723

Leu Gly His Ala Ala Thr Ser

1 5

<210> 13724

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13724

Ser Gly Phe Ser Ser Thr Ala

1 5

<210> 13725

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13725

Leu Val Asn Gln Pro Gln Ser

1 5

<210> 13726

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13726

Gly Arg Ala Glu Val Gly Ile

1 5

<210> 13727

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13727

Val Leu Ala Thr Lys Asn Ser

1 5

<210> 13728

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13728

Gln Ala His Ala Phe Ala Asp

1 5

<210> 13729

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13729

Asn Leu Asp Thr Val Lys Thr

1 5

<210> 13730

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13730

Arg Pro Gln Thr Leu Pro Asn

1 5

<210> 13731

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13731

Asn Pro Arg Asn Ser Pro Thr

1 5

<210> 13732

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13732

His Val Gln Met Asp Ala Asp

1 5

<210> 13733

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13733

Thr Tyr Arg Thr Glu Pro Val

1 5

<210> 13734

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13734

Pro Gly Leu Val Asn Met Ser

1 5

<210> 13735

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13735

Ser Leu Ser Gln Gly Pro Ala

1 5

<210> 13736

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13736

Leu Gly Ala Ser Gly Tyr Thr

1 5

<210> 13737

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13737

Ser Ala Val Thr Thr Met Pro

1 5

<210> 13738

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13738

Lys Val Asn Ala Glu Leu Leu

1 5

<210> 13739

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13739

Pro Phe Thr Pro Lys Leu Ser

1 5

<210> 13740

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13740

Met Arg Ser Thr Asn Ala Ser

1 5

<210> 13741

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13741

Val Met Tyr Ala Arg Gly Asp

1 5

<210> 13742

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13742

Arg Val Gly Ser Thr Met Gln

1 5

<210> 13743

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13743

Leu Thr Val Ala Val Glu Thr

1 5

<210> 13744

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13744

Trp Thr Asn Ser Gly Ser Ser

1 5

<210> 13745

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13745

His Ala Met Arg Gly Thr Gly

1 5

<210> 13746

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13746

His Gln Asp Val Arg Gly Ser

1 5

<210> 13747

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13747

Ser Phe Gln Arg Glu Ile Pro

1 5

<210> 13748

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13748

Leu Gln Arg Ala Ala Leu Asn

1 5

<210> 13749

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13749

Ser Asp Ala Thr Ile Arg Pro

1 5

<210> 13750

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13750

Gln Met Ser Thr Gly Arg Val

1 5

<210> 13751

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13751

Arg Ser Thr Gln Ala Ile Pro

1 5

<210> 13752

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13752

Gln Ile Arg Asp Ala Asn Ala

1 5

<210> 13753

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13753

Leu His Thr Ser Asn Ala Tyr

1 5

<210> 13754

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13754

Ser Ser Gly Leu Gly Thr Pro

1 5

<210> 13755

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13755

Asp His Lys Pro Val Arg Asp

1 5

<210> 13756

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13756

Met Lys Leu Val Ser Val Gly

1 5

<210> 13757

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13757

Gly Glu Gln Ser Leu Lys Ala

1 5

<210> 13758

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13758

Met Thr Ser Gly Thr Asn Gly

1 5

<210> 13759

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13759

His Ala Ala Lys Gly Val Val

1 5

<210> 13760

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13760

Ser Ser Arg Gln Asn Glu Pro

1 5

<210> 13761

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13761

Ala Leu Ile Asn Arg Pro Asn

1 5

<210> 13762

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13762

Leu Arg Ser Ser Met Ala Ser

1 5

<210> 13763

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13763

Asn Asn Glu Tyr Ser Lys Leu

1 5

<210> 13764

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13764

Thr Gly Arg Leu Asn Gly Glu

1 5

<210> 13765

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13765

Thr Asn Ser His Ala Val Arg

1 5

<210> 13766

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13766

Ile Val Thr Asn His Ser His

1 5

<210> 13767

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13767

Ala Leu Thr Arg Asp Ile Thr

1 5

<210> 13768

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13768

Gly Ile Ala Asn Gln Gly Val

1 5

<210> 13769

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13769

Asn Thr Val Arg Ser Gln Gln

1 5

<210> 13770

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13770

Met Glu Asn Ser Asn Lys Ala

1 5

<210> 13771

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13771

Gly Thr Val Arg Val Gln Ala

1 5

<210> 13772

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13772

Thr Thr Ser His Leu Ile Asp

1 5

<210> 13773

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13773

Gly Thr Gln Ala His Gln Gly

1 5

<210> 13774

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13774

Lys Met Ser Ala Ser Ser Val

1 5

<210> 13775

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13775

Ser Leu Lys Val Asn Pro Gly

1 5

<210> 13776

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13776

Ser Thr Gly Thr Ser Thr Leu

1 5

<210> 13777

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13777

Val Leu Thr Asn Arg Glu Gln

1 5

<210> 13778

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13778

Leu Asp Val Ser Arg Thr Leu

1 5

<210> 13779

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13779

Ser Phe Gly Thr Glu Ser Arg

1 5

<210> 13780

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13780

Gln Leu Ala Lys Gly Asn Tyr

1 5

<210> 13781

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13781

Ala Lys Asn Asp Pro Arg Ala

1 5

<210> 13782

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13782

Leu Thr Gln Val Gly Gly Thr

1 5

<210> 13783

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13783

Lys Gln Asn Thr Thr Ser Leu

1 5

<210> 13784

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13784

Leu Ser Thr Arg Ala Glu Asp

1 5

<210> 13785

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13785

Thr Val Pro Asn Ile Pro Met

1 5

<210> 13786

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13786

Asn Ser Leu Ser Lys Leu Ser

1 5

<210> 13787

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13787

Met Asn Glu His Gln Met Lys

1 5

<210> 13788

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13788

Asp Val Lys Gly His Gln Ser

1 5

<210> 13789

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13789

Asp Val Ser Leu Gln Lys Asp

1 5

<210> 13790

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13790

Thr Arg Pro Ser Gly Thr Tyr

1 5

<210> 13791

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13791

Val Lys Gly Pro Asp Ser Leu

1 5

<210> 13792

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13792

Asn His Ser Ser Tyr Glu Leu

1 5

<210> 13793

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13793

Thr Val Arg Thr Pro Leu Ile

1 5

<210> 13794

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13794

Ala Ser Ile Asp Ser Gln His

1 5

<210> 13795

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13795

Asp Gln Lys Asn Ser Gly His

1 5

<210> 13796

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13796

Leu Asp Thr Asn Asn Lys Ala

1 5

<210> 13797

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13797

Ala Ser Ala His Ala Gln Val

1 5

<210> 13798

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13798

Asp Ser Gly Lys His Asn Asp

1 5

<210> 13799

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13799

Leu Asn Arg Asn Ser Gly Met

1 5

<210> 13800

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13800

Pro Thr Met Leu Pro Asp Lys

1 5

<210> 13801

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13801

Ser Thr Gln Val Ser Asn Tyr

1 5

<210> 13802

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13802

Ser Asn Gln Thr Leu Met Ser

1 5

<210> 13803

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13803

Arg Asn Pro Gly Ser Thr Ser

1 5

<210> 13804

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13804

Arg Met Ala Gln Gly Tyr Ser

1 5

<210> 13805

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13805

Gln Val Met Arg Gln Ser Ser

1 5

<210> 13806

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13806

Lys Asn Thr Thr Val Ser Asp

1 5

<210> 13807

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13807

Thr Gly Lys Thr Ala Arg Asp

1 5

<210> 13808

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13808

Ile Leu Arg Thr Leu Thr Glu

1 5

<210> 13809

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13809

Arg Leu Asp Asn Ala Gly Met

1 5

<210> 13810

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13810

Ser Gly Thr Gly Arg Gln Gln

1 5

<210> 13811

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13811

Leu Gly Lys Asp Thr Phe Ser

1 5

<210> 13812

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13812

Arg Tyr Asp Gly Ser Val Ala

1 5

<210> 13813

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13813

Ala His Tyr Pro Ala Ser Thr

1 5

<210> 13814

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13814

Lys Ser Asn Gly Ser Pro Leu

1 5

<210> 13815

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13815

Arg Asp Leu Val Leu Thr Lys

1 5

<210> 13816

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13816

Thr Ser Asn Pro Gly Asn Met

1 5

<210> 13817

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13817

Leu Pro Arg Pro Ser Asn Thr

1 5

<210> 13818

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13818

Thr Gly Gly Gly Ser Phe Ser

1 5

<210> 13819

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13819

Tyr Pro Asn Lys Glu Leu Ser

1 5

<210> 13820

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13820

Thr Met Val His Gln Glu Ser

1 5

<210> 13821

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13821

Val Asn Ser Asn Asn Ser Met

1 5

<210> 13822

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13822

Asn Gly Val His Val Thr Pro

1 5

<210> 13823

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13823

Ala Lys Tyr Leu Asn Ser Asn

1 5

<210> 13824

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13824

Gly Met Thr Lys Asn Gly Gly

1 5

<210> 13825

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13825

Arg Ala Arg Asp Glu Gly Met

1 5

<210> 13826

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13826

Val Pro Ser Pro Gly Ala Thr

1 5

<210> 13827

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13827

Lys Thr Gln Leu Gly Gln Met

1 5

<210> 13828

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13828

Ser Thr Ser Thr Ile Gln Pro

1 5

<210> 13829

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13829

Arg Lys Glu Asn Ala Ser Tyr

1 5

<210> 13830

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13830

Leu Thr Asn His Gly Asn Val

1 5

<210> 13831

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13831

Leu Asp Asn Val His Ser His

1 5

<210> 13832

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13832

Pro Thr Met Ala Val Thr Pro

1 5

<210> 13833

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13833

Lys Pro Glu Arg Thr Glu Ala

1 5

<210> 13834

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13834

Thr Gly Asp Arg Lys Ser Gly

1 5

<210> 13835

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13835

Ala Lys His Thr Ser Phe Pro

1 5

<210> 13836

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13836

Gly Leu Val Ala Ser Leu Gly

1 5

<210> 13837

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13837

Ser Val Pro Arg Ser Glu Leu

1 5

<210> 13838

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13838

Ala Glu Arg Ile Gly Met Gly

1 5

<210> 13839

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13839

Ser Leu Val Arg Gln Ser Asp

1 5

<210> 13840

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13840

His Val Lys Ala Asn Pro Ile

1 5

<210> 13841

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13841

Val Val Asp Thr Leu Lys Asn

1 5

<210> 13842

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13842

Gln Ile Pro Tyr Asn Ser Ser

1 5

<210> 13843

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13843

Ala Asp His Ser Met His Val

1 5

<210> 13844

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13844

Asn His Val Thr Ala Gln Ala

1 5

<210> 13845

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13845

Thr Asn Phe Thr Lys Ser Gly

1 5

<210> 13846

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13846

Tyr Gly His Ser Met Thr Asn

1 5

<210> 13847

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13847

Met Arg Pro Asp Leu Lys Thr

1 5

<210> 13848

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13848

Gly Pro Gly Thr Ser Phe Lys

1 5

<210> 13849

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13849

Ser Ser Thr Thr Pro Gly Leu

1 5

<210> 13850

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13850

Ser Val Lys Ala Asn Pro Thr

1 5

<210> 13851

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13851

Thr Pro Thr Val Phe Thr Pro

1 5

<210> 13852

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13852

Met Leu Pro Ser Pro Gly Ser

1 5

<210> 13853

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13853

Asn Phe Asp Tyr Ala Lys Pro

1 5

<210> 13854

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13854

Thr Leu Asn Thr Ser Pro Met

1 5

<210> 13855

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13855

Thr Asn Ser Pro Lys Ser Thr

1 5

<210> 13856

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13856

Val Thr Pro Gly Arg Tyr Ser

1 5

<210> 13857

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13857

Thr Arg Val Ser Asn Leu Asp

1 5

<210> 13858

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13858

Ser His Gly Pro Asp Arg Thr

1 5

<210> 13859

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13859

Asn Ile His Thr Ala Thr Thr

1 5

<210> 13860

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13860

Leu Leu Pro Gln Thr Thr Leu

1 5

<210> 13861

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13861

Arg Thr Asn Asp Thr Ser Ala

1 5

<210> 13862

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13862

Glu Arg Asn Gly Ser His Glu

1 5

<210> 13863

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13863

Asn Thr Arg Glu Ala Phe Ile

1 5

<210> 13864

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13864

Val Gly Gln Tyr Ala Ser Pro

1 5

<210> 13865

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13865

Val Ala Glu Thr Gly Arg Thr

1 5

<210> 13866

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13866

Met Ser Ala Gly Ser Asn Ser

1 5

<210> 13867

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13867

Leu Ser Pro Lys Asn Ala Gln

1 5

<210> 13868

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13868

Ser Gly Thr Ser Gln Leu Pro

1 5

<210> 13869

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13869

Arg Leu Gln Asp Lys Pro Gln

1 5

<210> 13870

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13870

Asn Val Pro Arg Ser Ser Val

1 5

<210> 13871

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13871

Ala Leu Gly Ser Pro Arg Pro

1 5

<210> 13872

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13872

Ala Lys Glu Pro Met Ser Ala

1 5

<210> 13873

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13873

Ala Val Ser Gly Ala Ala His

1 5

<210> 13874

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13874

Tyr Asn Asn Lys Ser Ala Ala

1 5

<210> 13875

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13875

Gln Val Ser Val Arg Asn Leu

1 5

<210> 13876

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13876

Lys Gly Thr His Pro Pro Ala

1 5

<210> 13877

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13877

Gln Tyr Pro Asn Ser Lys Val

1 5

<210> 13878

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13878

His Asn Ala Ser Asn Ser Gly

1 5

<210> 13879

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13879

Glu Leu Asn Pro Lys Phe Ile

1 5

<210> 13880

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13880

Ser Arg Glu Thr Pro Gly Thr

1 5

<210> 13881

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13881

Asn Phe Lys Pro Gln Asn Glu

1 5

<210> 13882

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13882

Ala Met Thr Ser Gly Ser Ala

1 5

<210> 13883

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13883

Lys Asp Pro Arg Ser Thr Leu

1 5

<210> 13884

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13884

Asp Arg Gly Thr Arg Thr Val

1 5

<210> 13885

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13885

Ser Leu Ala Arg Asn Asn Val

1 5

<210> 13886

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13886

Ala Ile Arg Phe Asn Glu Pro

1 5

<210> 13887

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13887

Gln His His Ile Ala Thr Pro

1 5

<210> 13888

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13888

Gln Ile Leu Arg Glu Pro Val

1 5

<210> 13889

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13889

Thr Val Val Asn Lys Leu Ser

1 5

<210> 13890

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13890

Arg Asp Asn Thr Thr Lys Phe

1 5

<210> 13891

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13891

Ser Leu Leu Ser Thr Leu Gly

1 5

<210> 13892

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13892

Gly Gln Val Pro Val Thr Arg

1 5

<210> 13893

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13893

Ile Gln Asn Ser Leu Met Pro

1 5

<210> 13894

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13894

Gln His Asn Thr Gln Asn Thr

1 5

<210> 13895

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13895

Val Gly Pro Thr Met Thr His

1 5

<210> 13896

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13896

Thr Asn Val Thr Met Ala Arg

1 5

<210> 13897

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13897

Ser Ala His Phe Thr Gly Thr

1 5

<210> 13898

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13898

Arg Tyr Ser Val Asn Asp Lys

1 5

<210> 13899

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13899

Val Tyr Lys Ser Ala Asp Pro

1 5

<210> 13900

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13900

Val His Thr Ala Leu Pro Met

1 5

<210> 13901

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13901

Thr Ile Ser Ser Ala Gly Ile

1 5

<210> 13902

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13902

Arg Leu Pro Ser Thr Gln Ala

1 5

<210> 13903

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13903

Ser Gln Glu Arg Ala Met Ser

1 5

<210> 13904

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13904

Met Asn Gln Leu Ala Asn Pro

1 5

<210> 13905

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13905

Phe Gly Ala Thr Ser Gly Gln

1 5

<210> 13906

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13906

Thr Leu Leu Arg Ser Pro Ala

1 5

<210> 13907

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13907

Leu Arg Ser Asn Val Ser Asn

1 5

<210> 13908

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13908

Ile Ala Asn Ser Gln Ala Ala

1 5

<210> 13909

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13909

Ser Asn Arg Ile Val Pro Val

1 5

<210> 13910

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13910

Ser Pro Asn Pro Ser Asn Ala

1 5

<210> 13911

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13911

Lys Trp Asp Ser Ala Asn Glu

1 5

<210> 13912

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13912

Ala Ser Arg Gln Gly Glu Ala

1 5

<210> 13913

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13913

Val Pro Gly Asn Ser Pro His

1 5

<210> 13914

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13914

Ser Ala Thr Thr Asn Ser Val

1 5

<210> 13915

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13915

His Ile Gly Ala Arg Gln Val

1 5

<210> 13916

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13916

Leu Thr Asp Arg Ser Pro Met

1 5

<210> 13917

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13917

Asn Pro Thr Gln Ala Val Leu

1 5

<210> 13918

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13918

Thr Lys Asn Glu Thr Gly Thr

1 5

<210> 13919

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13919

Leu Thr Ala Thr Leu Thr Ser

1 5

<210> 13920

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13920

Tyr Lys Ala Ser Tyr Ala Ala

1 5

<210> 13921

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13921

Thr Leu Pro Asp Lys Val Ser

1 5

<210> 13922

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13922

Asn Asn His Ile Pro Leu Ala

1 5

<210> 13923

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13923

Ser Asn Leu Thr Ser Asn Pro

1 5

<210> 13924

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13924

Gln Gln Asn Asp Arg Asn Ala

1 5

<210> 13925

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13925

Met Leu Ser Thr Asn Arg Ser

1 5

<210> 13926

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13926

Ile Thr Ser Ala Thr Leu Ser

1 5

<210> 13927

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13927

Val Asp Ala Met Gln Arg Pro

1 5

<210> 13928

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13928

Arg Glu Ala Asn Tyr Ala Ser

1 5

<210> 13929

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13929

Arg Ser Asn Asn Ala Asp Leu

1 5

<210> 13930

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13930

Gly Leu Asp Lys Met Gly Ser

1 5

<210> 13931

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13931

Phe Thr Thr Ser His Ala Pro

1 5

<210> 13932

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13932

Asp Lys Ser Val Lys Phe Ala

1 5

<210> 13933

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13933

His Ala Lys Lys Glu Leu Gln

1 5

<210> 13934

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13934

Val Glu Ser Lys Gly Ala Ser

1 5

<210> 13935

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13935

Lys Thr Ala Pro Ser Met Gly

1 5

<210> 13936

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13936

Gly Leu Arg Thr Asp Asn Arg

1 5

<210> 13937

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13937

Arg Ile Ala Gly Asn Asn Pro

1 5

<210> 13938

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13938

Lys Asp Pro His Gln Val Val

1 5

<210> 13939

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13939

Glu Gln Thr Pro His Asn Ser

1 5

<210> 13940

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13940

Gly Leu Asp Lys Gly Asn Trp

1 5

<210> 13941

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13941

Pro Ser Asn Gly Asn Tyr Ser

1 5

<210> 13942

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13942

Gly Arg Pro Gly Ile Gly Ser

1 5

<210> 13943

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13943

Arg Thr Ser Pro Gly Val Ser

1 5

<210> 13944

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13944

Val Asn Ala Ser Leu Ile Ser

1 5

<210> 13945

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13945

Lys Thr Ser Thr Asn Leu Gln

1 5

<210> 13946

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13946

Met Asp Met Lys Gln Asn Met

1 5

<210> 13947

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13947

Asp Leu Asn Gly Ile Asn Val

1 5

<210> 13948

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13948

Arg Thr Pro Pro Ser Phe Glu

1 5

<210> 13949

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13949

Asp Phe His Asp Arg Lys Gly

1 5

<210> 13950

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13950

Leu His Thr Gln Thr Gln Thr

1 5

<210> 13951

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13951

Leu Gly Ala Ser Asn Asn Ala

1 5

<210> 13952

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13952

Ile Ala Ser Val Pro Arg Asp

1 5

<210> 13953

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13953

Lys Ala Lys Asp Val Gly Asp

1 5

<210> 13954

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13954

Ser Ala Phe Ala Ala Lys Gln

1 5

<210> 13955

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13955

Val Tyr Gln Gly Gln His Leu

1 5

<210> 13956

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13956

Tyr Leu Pro Ala Ala Ser Ser

1 5

<210> 13957

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13957

Ser Pro Ser Thr Val Ile Ser

1 5

<210> 13958

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13958

Gly Thr Asn Lys Pro Pro Asp

1 5

<210> 13959

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13959

Glu Ser Thr Gly Ala Ile Arg

1 5

<210> 13960

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13960

Leu Met Asn Thr Thr Ile Ala

1 5

<210> 13961

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13961

Met Ala Gly Val Ala Gln Pro

1 5

<210> 13962

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13962

Arg Pro Glu Leu Lys Arg Glu

1 5

<210> 13963

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13963

Lys Ala Gln Asp Thr Pro Thr

1 5

<210> 13964

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13964

Ser Thr Asn His Ser Thr Ser

1 5

<210> 13965

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13965

Phe Pro Arg Thr Thr Thr Asp

1 5

<210> 13966

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13966

Ser Arg Ala His Asn Leu Asp

1 5

<210> 13967

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13967

Arg Thr Ile Gln Glu Gly Ile

1 5

<210> 13968

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13968

Gly Gly Lys Ser Phe Ala Gln

1 5

<210> 13969

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13969

Gly Arg Pro Ser Ser Thr Gln

1 5

<210> 13970

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13970

Asn Pro Leu Asn Thr Ser Thr

1 5

<210> 13971

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13971

Glu Asn Leu Ser Asn Gly Arg

1 5

<210> 13972

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13972

Glu Asn Thr Ile Arg Met Ser

1 5

<210> 13973

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13973

Pro Pro Arg Ser Met Pro Met

1 5

<210> 13974

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13974

Leu Leu Ser Ser Asn Leu Pro

1 5

<210> 13975

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13975

Arg Val Gln Ser Leu Asn Glu

1 5

<210> 13976

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13976

Pro Arg Arg Ala Gln Asp Asp

1 5

<210> 13977

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13977

Gln Gly Asn Val Asn Val Gly

1 5

<210> 13978

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13978

Ser Gly Glu Thr Leu Arg Gly

1 5

<210> 13979

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13979

His Val Ser His Asn Thr Asp

1 5

<210> 13980

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13980

Phe Gly Gly Gly Ser Leu Val

1 5

<210> 13981

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13981

Pro Ser Leu Arg Ser Glu Gly

1 5

<210> 13982

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13982

Val Arg Ser Glu Asn Gly Val

1 5

<210> 13983

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13983

Thr Leu Lys Val Thr Gly Asp

1 5

<210> 13984

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13984

Val Pro Lys Val Tyr Leu Asp

1 5

<210> 13985

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13985

Thr Ser Met Arg Asn Thr Glu

1 5

<210> 13986

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13986

Gly Tyr Ser His Gly Ser Met

1 5

<210> 13987

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13987

Ala Thr Phe Pro Glu Lys Gln

1 5

<210> 13988

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13988

Thr Gly Pro Thr His Gly Thr

1 5

<210> 13989

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13989

Thr Asn Asp Arg His Ala Pro

1 5

<210> 13990

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13990

Arg His Leu Ala Ser Val Asp

1 5

<210> 13991

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13991

Asn Met Ile Gln Pro Ser Asn

1 5

<210> 13992

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13992

Asn Leu Ser Gly Ser Pro Ala

1 5

<210> 13993

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13993

Gln Thr Val Gly Pro Leu Pro

1 5

<210> 13994

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13994

Val Gly His Leu Ser Arg Asp

1 5

<210> 13995

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13995

Gln Asn Phe Asn Ala Gly His

1 5

<210> 13996

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13996

Leu Thr Gly Ala Ala Arg Val

1 5

<210> 13997

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13997

Gly Thr Arg Pro Thr Ala Thr

1 5

<210> 13998

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13998

Met Pro Leu Ser Val Ala Pro

1 5

<210> 13999

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 13999

Asp Arg Val Gln Gln Phe Ser

1 5

<210> 14000

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14000

Asn Asn Asp Thr Ser Thr Lys

1 5

<210> 14001

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14001

Pro Ser Lys Asn Thr His Ile

1 5

<210> 14002

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14002

Pro Phe Lys Ala Asp Val Thr

1 5

<210> 14003

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14003

Pro Lys Thr Pro Thr Tyr Val

1 5

<210> 14004

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14004

Leu Thr Asn Met Thr Thr Pro

1 5

<210> 14005

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14005

Gly Ser Lys Val His Leu Ser

1 5

<210> 14006

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14006

Ser Ile Pro Gly Tyr Asn Asn

1 5

<210> 14007

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14007

Met Lys Thr Ala Glu Ser Tyr

1 5

<210> 14008

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14008

Asn Gly Asp Arg Leu Leu Asn

1 5

<210> 14009

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14009

Gly Thr Thr His Thr Ser Leu

1 5

<210> 14010

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14010

Leu Gly Pro Ser Thr Gln Ser

1 5

<210> 14011

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14011

Met Asn Ala Leu Thr Asp Lys

1 5

<210> 14012

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14012

Ser Ser Lys Glu Ile Ser Leu

1 5

<210> 14013

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14013

Leu Asp Asn Gly Thr Thr Arg

1 5

<210> 14014

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14014

Arg Val Asn Phe Asn Ser Asp

1 5

<210> 14015

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14015

Asn Met Gln Ala Ile Ser Asn

1 5

<210> 14016

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14016

Asn Thr Asn Pro Arg Ser Ile

1 5

<210> 14017

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14017

Lys Ile Asn Ser Asn Ser Pro

1 5

<210> 14018

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14018

Val Pro Leu Gly Lys Ala Ser

1 5

<210> 14019

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14019

Arg Leu Asn His Asn Ser Pro

1 5

<210> 14020

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14020

Gln Leu Asn Thr Val Leu Pro

1 5

<210> 14021

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14021

Asp Ser Phe Gly Lys Ser Leu

1 5

<210> 14022

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14022

Lys Pro Pro Lys Leu Val Asp

1 5

<210> 14023

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14023

Gln Ile Thr Val Gly Lys Pro

1 5

<210> 14024

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14024

Gln His Pro His Gly Gln Gln

1 5

<210> 14025

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14025

Thr Ser Thr Asn Met Ala Ala

1 5

<210> 14026

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14026

Gln Gly Gly Leu Ala Val Val

1 5

<210> 14027

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14027

Gly Arg Gly Ser Leu Pro Phe

1 5

<210> 14028

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14028

Ser Gly Lys Pro Ala Ser Glu

1 5

<210> 14029

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14029

Arg Ser Val Ser Val Asn Ser

1 5

<210> 14030

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14030

Asp Arg Gly Gly Val Val Ala

1 5

<210> 14031

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14031

Gly Arg Glu Thr Gly Phe Ser

1 5

<210> 14032

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14032

Gln Ile Val Pro Ser Asn Pro

1 5

<210> 14033

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14033

Thr Thr Leu Gly His Ser Tyr

1 5

<210> 14034

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14034

Ser Arg Glu Phe Gln Leu Ala

1 5

<210> 14035

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14035

Gly Arg Asp His Asn Ile Gly

1 5

<210> 14036

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14036

Ser Asn Asn Ser Arg Pro Asn

1 5

<210> 14037

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14037

Lys Asn Gln Ser Ser Asp Leu

1 5

<210> 14038

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14038

Pro Asn Asp Arg Ala His Gly

1 5

<210> 14039

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14039

Ala Leu Thr Arg Thr Gln Ser

1 5

<210> 14040

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14040

Met Arg Pro Pro Ser Asp Lys

1 5

<210> 14041

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14041

Thr Asn Ser Thr Thr Lys Ser

1 5

<210> 14042

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14042

Gly Arg His Gly Met Thr Ala

1 5

<210> 14043

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14043

Val Ser His Ile Ser Pro Ala

1 5

<210> 14044

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14044

Lys Val Thr Ser Asn Ser Ser

1 5

<210> 14045

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14045

Met Tyr Gly Pro Gly Ala Ser

1 5

<210> 14046

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14046

Val Leu Arg Ser Asn Thr Pro

1 5

<210> 14047

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14047

Asn Ser Ser Ser Ser Asn Lys

1 5

<210> 14048

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14048

Ser Thr Glu Lys Ser Thr Ser

1 5

<210> 14049

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14049

Asn Thr Asn Gly Asn Lys Gly

1 5

<210> 14050

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14050

Ile Thr Thr Asn Leu Gly Ala

1 5

<210> 14051

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14051

Ile Gln Lys Pro Gln Ser Ser

1 5

<210> 14052

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14052

Val Arg Asp Ala Ala Tyr Thr

1 5

<210> 14053

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14053

Ala Arg Ser Ser Thr Gly Ala

1 5

<210> 14054

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14054

Thr Ser Val His Asn Lys Val

1 5

<210> 14055

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14055

Thr Ile Ser Thr His Gly Thr

1 5

<210> 14056

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14056

Thr Val Thr Asn Ile Asn Phe

1 5

<210> 14057

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14057

Ser Ile Asn Ser Asn His Ile

1 5

<210> 14058

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14058

Gln Lys Ala Gly Tyr Ser Asn

1 5

<210> 14059

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14059

Ala Arg Asp Thr Val Arg Thr

1 5

<210> 14060

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14060

Tyr Lys Asp Gln Thr Lys Val

1 5

<210> 14061

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14061

Asn Ile Gly Leu Asn Pro Met

1 5

<210> 14062

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14062

Gly Ser Thr Asn Met Ile Tyr

1 5

<210> 14063

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14063

Ile Asp Ala Lys Gly Leu Lys

1 5

<210> 14064

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14064

Val Val Ser His Asn Leu Thr

1 5

<210> 14065

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14065

Thr Val Ser Leu Lys Thr Ala

1 5

<210> 14066

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14066

Tyr Ser Gly Ser Asn Tyr His

1 5

<210> 14067

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14067

Pro Ser Asp Ala Thr Met Gly

1 5

<210> 14068

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14068

Trp Gly Glu Thr Thr Asn Gly

1 5

<210> 14069

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14069

Asn Tyr His Lys Thr Met Pro

1 5

<210> 14070

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14070

Ala Arg His Glu Leu Pro Val

1 5

<210> 14071

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14071

His Asn Leu Thr Arg Asn Leu

1 5

<210> 14072

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14072

Gly Pro Gln Ile Gly Thr Val

1 5

<210> 14073

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14073

Met Arg Ala Asp Ser Asn Val

1 5

<210> 14074

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14074

Val Ala Asn Gly Pro Thr Thr

1 5

<210> 14075

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14075

Thr Lys Asn Leu Asn Thr Tyr

1 5

<210> 14076

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14076

Asp Arg Leu Gly Ala Arg Ser

1 5

<210> 14077

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14077

Asn Ile Gly Ser Gly Gln Lys

1 5

<210> 14078

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14078

Gly Arg Glu Met Thr Asn Pro

1 5

<210> 14079

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14079

Ile Met Ala Ala Ala His Ser

1 5

<210> 14080

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14080

Ser Asp Gln Arg Ile His Pro

1 5

<210> 14081

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14081

Val Ser Gly Gln Thr Asn Met

1 5

<210> 14082

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14082

Tyr Ser Leu Gly Ser Glu Pro

1 5

<210> 14083

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14083

Ser Thr Leu Lys Ala Leu Thr

1 5

<210> 14084

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14084

Ser Ala Leu Ile Pro Ser Pro

1 5

<210> 14085

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14085

Thr Ser Gln Ala Gly Asn Gln

1 5

<210> 14086

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14086

Lys His Ala Ser Leu Pro Ile

1 5

<210> 14087

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14087

Leu Asp Gln Leu Thr Lys Asn

1 5

<210> 14088

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14088

Met Ala Arg Ser Thr Asp Arg

1 5

<210> 14089

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14089

Ser Tyr Asn His Ile Glu Lys

1 5

<210> 14090

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14090

Val Asn His Ile Gln Pro Met

1 5

<210> 14091

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14091

Ser Arg Ala Glu Pro Lys Leu

1 5

<210> 14092

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14092

Ala Ser His Ile Gly Asn Ser

1 5

<210> 14093

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14093

His Gln Gly Phe Ala Ser Ala

1 5

<210> 14094

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14094

Glu Gly Lys Ser Ile Met Pro

1 5

<210> 14095

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14095

Leu Thr Gly Met His Ser Thr

1 5

<210> 14096

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14096

Ser Asn Pro Ser Thr Ile His

1 5

<210> 14097

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14097

Ser Arg Asp Gln Pro Thr Ser

1 5

<210> 14098

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14098

Lys Thr Ala Glu Pro Tyr Thr

1 5

<210> 14099

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14099

Ile Gly Ser Asn Pro Asp Lys

1 5

<210> 14100

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14100

Leu Ala Ser Thr Phe Ser Pro

1 5

<210> 14101

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14101

Leu Val Arg Leu Asn Thr Ser

1 5

<210> 14102

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14102

Phe Gln Asp Leu Arg Ala Gln

1 5

<210> 14103

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14103

Ile Ser His Ser Pro Gln Thr

1 5

<210> 14104

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14104

Phe Gln Asp Gly Gln Arg Glu

1 5

<210> 14105

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14105

Asp Thr Arg Glu Ala Phe Arg

1 5

<210> 14106

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14106

Leu Val Ala Asp Ala Arg Pro

1 5

<210> 14107

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14107

Ser Phe Ser Ser Gly Ala Gly

1 5

<210> 14108

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14108

Asp Val Leu Thr Gly Lys Ser

1 5

<210> 14109

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14109

Lys Met Val Leu Asn Asn Ala

1 5

<210> 14110

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14110

Arg Lys Ile Asp Thr Met Ser

1 5

<210> 14111

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14111

Met Ser Gln Val Ile Thr Gly

1 5

<210> 14112

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14112

Thr Tyr Asp Thr Arg Asn Thr

1 5

<210> 14113

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14113

Tyr Arg Asp Gly Ser Gly Ser

1 5

<210> 14114

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14114

Gly Asn Ile Ser Pro Ala Gly

1 5

<210> 14115

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14115

Lys Ala Gly Leu Gly Leu Ser

1 5

<210> 14116

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14116

Arg His Val Glu Lys Asp Thr

1 5

<210> 14117

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14117

Lys Glu Val Arg Ala Asn Ala

1 5

<210> 14118

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14118

Glu Ser Lys Pro Leu Pro Ala

1 5

<210> 14119

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14119

Thr Leu Ser His Asn Ser Met

1 5

<210> 14120

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14120

Val Gly Ser Tyr Thr Val Ser

1 5

<210> 14121

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14121

Gln Ser Ala Thr Ser Leu Thr

1 5

<210> 14122

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14122

His Ala Asn Gly Leu Arg Asp

1 5

<210> 14123

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14123

Arg Met Ser His Asp Ser Pro

1 5

<210> 14124

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14124

Lys His Ser Gly Leu Glu Ser

1 5

<210> 14125

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14125

Lys Leu Ser Thr Ala Ile Glu

1 5

<210> 14126

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14126

Asn Ser Lys Gln Leu Leu Leu

1 5

<210> 14127

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14127

Ser Leu His Asn Asn Arg Val

1 5

<210> 14128

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14128

Ser Ala Asp Arg Ser Ile Thr

1 5

<210> 14129

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14129

Pro Thr Gly Arg Pro Gln Glu

1 5

<210> 14130

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14130

Lys Thr Val Gln Glu Pro Leu

1 5

<210> 14131

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14131

Ser Thr Lys Ala Leu Ser Asn

1 5

<210> 14132

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14132

Ser Asn Gln Ser Thr Arg Ser

1 5

<210> 14133

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14133

Gly Val Glu Gly Ser Ser Arg

1 5

<210> 14134

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14134

Leu His Gln Gly Pro Ser Ser

1 5

<210> 14135

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14135

Val Asp Ser Arg Asn Val Val

1 5

<210> 14136

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14136

Leu Gly Lys Gln Thr Ala Leu

1 5

<210> 14137

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14137

Ser Gly Asn Arg Thr Asn Met

1 5

<210> 14138

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14138

Val Lys Gly Tyr Ala Ser Thr

1 5

<210> 14139

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14139

Ala Ser Val Ser Ser Ser Ser

1 5

<210> 14140

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14140

Leu Gln Leu Lys Ser Gly Met

1 5

<210> 14141

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14141

Asp Met Arg Ala Ser Gly Ser

1 5

<210> 14142

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14142

Leu Thr Ala Thr Leu Pro Tyr

1 5

<210> 14143

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14143

Ser Asn Ala Pro Asn Ser Tyr

1 5

<210> 14144

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14144

Lys Val Glu Ser Ser Arg Ala

1 5

<210> 14145

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14145

Trp Ser Asn Ser Thr Thr Val

1 5

<210> 14146

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14146

Ser Leu Ile His Thr Arg Pro

1 5

<210> 14147

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14147

Thr Leu Ser Ser Pro His Asn

1 5

<210> 14148

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14148

Val Pro Arg Phe Asn Gly Asn

1 5

<210> 14149

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14149

Phe Asn His Ser Gly Ser Gly

1 5

<210> 14150

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14150

Trp Val Asp Thr Asn Ser Lys

1 5

<210> 14151

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14151

His Ser Asp Gly Ser Arg Leu

1 5

<210> 14152

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14152

Arg Gln Ala Val Gln Thr Ser

1 5

<210> 14153

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14153

Met His Ser Gly Ile Pro Thr

1 5

<210> 14154

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14154

Val Lys Asp Gln Gly Arg Ser

1 5

<210> 14155

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14155

Arg Pro Thr Leu Ser Asn Gln

1 5

<210> 14156

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14156

Val Ser Lys Ser Ala Ala Leu

1 5

<210> 14157

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14157

Lys Asp Ser His Leu Ser Ser

1 5

<210> 14158

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14158

Val Gly Val Arg Met Thr Gly

1 5

<210> 14159

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14159

Ala Asp Arg Leu Leu Asn Ser

1 5

<210> 14160

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14160

Gly Ser Glu Leu Arg Thr Gly

1 5

<210> 14161

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14161

Met Lys Leu Ser Thr Ser Ser

1 5

<210> 14162

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14162

Gln Ala Tyr Asn Ile Val Pro

1 5

<210> 14163

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14163

Val Gly Gly Asn Ile Arg Thr

1 5

<210> 14164

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14164

Ser Tyr Gln Gln Thr Leu Gly

1 5

<210> 14165

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14165

Met Arg Pro Thr Pro Thr Asp

1 5

<210> 14166

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14166

Arg Lys Ala Asn Asp Leu Asn

1 5

<210> 14167

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14167

Ile Ser Gly Thr Ala Ser Thr

1 5

<210> 14168

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14168

Tyr Val Gln Leu Asn Asn Ala

1 5

<210> 14169

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14169

Thr Glu Lys Gly Trp Gly Pro

1 5

<210> 14170

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14170

Ser Pro Gln Arg His Asn Ser

1 5

<210> 14171

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14171

Tyr Thr His Met Thr Glu Arg

1 5

<210> 14172

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14172

Asp Arg Ser Met Gln Gln Ala

1 5

<210> 14173

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14173

Asp Thr Met Asn Ala Met Arg

1 5

<210> 14174

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14174

Leu Lys Pro Gly His Met Val

1 5

<210> 14175

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14175

Gln Phe Asn Ser Lys Asp Thr

1 5

<210> 14176

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14176

Trp Thr Asn Ser Arg Pro Met

1 5

<210> 14177

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14177

Leu Leu Thr Thr Ser Ser Glu

1 5

<210> 14178

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14178

Gln Arg Ala Ser Ser Gly Ser

1 5

<210> 14179

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14179

Pro Lys Glu Ser Asn Asn Met

1 5

<210> 14180

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14180

Ala Lys His Val Ala Thr Glu

1 5

<210> 14181

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14181

Thr Gln Ser Ser Thr Tyr Ser

1 5

<210> 14182

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14182

Pro Arg Thr Ser Thr Asn Ile

1 5

<210> 14183

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14183

Arg Leu Ala Ser Asn Ser Asp

1 5

<210> 14184

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14184

Gly Pro Leu Gln Thr Asn Ala

1 5

<210> 14185

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14185

Lys Val Ser Ala Met Ser Asp

1 5

<210> 14186

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14186

Ala Gly Lys Tyr Val Asn Ser

1 5

<210> 14187

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14187

Pro Lys Ser Gly Ser Pro Ser

1 5

<210> 14188

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14188

Phe Ile Ser Asn Gly Ser Ser

1 5

<210> 14189

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14189

Asn Leu Asn Ala Met His Lys

1 5

<210> 14190

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14190

Glu Ser His Ala Arg Glu Gly

1 5

<210> 14191

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14191

Thr Val Val Gly Val Arg Gly

1 5

<210> 14192

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14192

Ala Lys Ala Thr Val Pro Ser

1 5

<210> 14193

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14193

Thr Lys Thr Val Asn Met Thr

1 5

<210> 14194

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14194

Gln Ser Ser Leu Lys Leu Thr

1 5

<210> 14195

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14195

Asn Ala Gln Arg Thr Gly Pro

1 5

<210> 14196

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14196

Asn Arg Arg Asp Ala Thr Pro

1 5

<210> 14197

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14197

Gly Asn Gln Asn Thr Leu Leu

1 5

<210> 14198

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14198

Thr Arg Val Ser Gly Ser Ala

1 5

<210> 14199

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14199

Val Thr Thr Ala Met Met Ser

1 5

<210> 14200

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14200

Asp Arg Thr Pro Ile Ala His

1 5

<210> 14201

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14201

Leu Pro Leu Asn Ser Arg Pro

1 5

<210> 14202

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14202

Pro Gln Ala Ser Gln Ala Asn

1 5

<210> 14203

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14203

Thr Ala Arg Asn Val Pro Asn

1 5

<210> 14204

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14204

Leu Asn Gly Ile Leu Ser Gln

1 5

<210> 14205

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14205

Leu Gln Asp Lys Thr Leu Asn

1 5

<210> 14206

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14206

Tyr Arg Gly Glu Asn Asn Pro

1 5

<210> 14207

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14207

Val Asn Lys Gln Leu Asn Ser

1 5

<210> 14208

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14208

Val Leu Lys Asp Asp Gly His

1 5

<210> 14209

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14209

Thr Arg Gly Glu Val Ser Leu

1 5

<210> 14210

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14210

Glu Phe Gln Arg Met His Pro

1 5

<210> 14211

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14211

Ile Ser Pro Met Ser Thr Ser

1 5

<210> 14212

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14212

Leu Gly His Asp His Ala Thr

1 5

<210> 14213

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14213

Leu Ser Pro Gly Pro Gln Gln

1 5

<210> 14214

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14214

Lys Phe Arg Gly Glu Glu Pro

1 5

<210> 14215

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14215

Gln Gly Ser Arg Leu Ala Ser

1 5

<210> 14216

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14216

Trp Glu Arg Ser Gln Leu Ser

1 5

<210> 14217

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14217

Gln Gln Lys Ala Ala Asn Gly

1 5

<210> 14218

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14218

Tyr Thr Leu Ser Leu Ser Ser

1 5

<210> 14219

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14219

Gly Leu Ile Pro Asn Asn Ser

1 5

<210> 14220

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14220

Ser Val Pro Val Ser Arg Thr

1 5

<210> 14221

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14221

Asn Lys Gln Gln Ser Gln Thr

1 5

<210> 14222

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14222

Ser Lys His Ser Val Gln Val

1 5

<210> 14223

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14223

Asn Arg Pro Ser Gln Gln Gly

1 5

<210> 14224

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14224

Gln Glu Tyr Arg Asn Thr Leu

1 5

<210> 14225

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14225

Phe Glu Arg Asp Arg Met Gly

1 5

<210> 14226

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14226

Ser Thr Ser Ser Asn Leu Ser

1 5

<210> 14227

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14227

Arg Ser Leu Glu Gly Ile Val

1 5

<210> 14228

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14228

Gly Asn Ser Arg Leu Asp Pro

1 5

<210> 14229

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14229

Ile Asp Thr Ile Gly Lys Ala

1 5

<210> 14230

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14230

Leu Asp His Thr Ser Arg Ala

1 5

<210> 14231

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14231

Trp Gly Gln Thr Asn Ser Ser

1 5

<210> 14232

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14232

Ala Arg Gly Asn Leu Ser Ser

1 5

<210> 14233

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14233

Asp Asn Met Lys Leu His Val

1 5

<210> 14234

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14234

Glu Lys Thr Gln Gln Ser Tyr

1 5

<210> 14235

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14235

Ser Asn Gly Leu Ala Arg Asn

1 5

<210> 14236

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14236

Val Val Ser His Arg Pro Ala

1 5

<210> 14237

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14237

Ser Leu Gly Val Ser Arg Asn

1 5

<210> 14238

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14238

Asp His Ser His Gly Arg Asp

1 5

<210> 14239

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14239

Ser Thr His Gln Val Ala Asn

1 5

<210> 14240

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14240

Asn Gln Ser Ala Ser Ser Arg

1 5

<210> 14241

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14241

Val Thr Val Gly Ser His Met

1 5

<210> 14242

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14242

Ser Ser Asn Ile Ala Gln Asn

1 5

<210> 14243

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14243

Leu Asn Glu Met Ala Thr Pro

1 5

<210> 14244

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14244

Ser Thr Lys Ile Glu Arg Asp

1 5

<210> 14245

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14245

Asn Leu Val Asp Ala Arg Ile

1 5

<210> 14246

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14246

Tyr Ser Thr Gly Lys Asp Ala

1 5

<210> 14247

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14247

Thr Gln Gly Ile Val Thr Ser

1 5

<210> 14248

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14248

Ser Phe Gly Ala Thr Ser Leu

1 5

<210> 14249

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14249

Thr Ala Gly Met Ser Ser Arg

1 5

<210> 14250

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14250

Arg Asp Asn Ser Leu Ile Pro

1 5

<210> 14251

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14251

Lys Thr Asn Ala Asp Tyr Gly

1 5

<210> 14252

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14252

Val Asn Pro His Arg Thr Met

1 5

<210> 14253

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14253

Asp Ile Arg Gly Arg Pro Thr

1 5

<210> 14254

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14254

Arg Glu Val Ser Ser Thr Ser

1 5

<210> 14255

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14255

Val Ser Gln Gly Thr Arg Val

1 5

<210> 14256

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14256

Lys Thr Pro Ile Met His Ala

1 5

<210> 14257

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14257

Leu Glu Ser Arg Asp Thr Val

1 5

<210> 14258

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14258

Val Leu Asn Ser Ser Met Thr

1 5

<210> 14259

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14259

Phe Arg Thr Val Thr Gln Ala

1 5

<210> 14260

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14260

Thr Gly Ala Met Asn Met Thr

1 5

<210> 14261

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14261

Leu Lys Thr Gln Asn Tyr Ser

1 5

<210> 14262

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14262

Gln Lys Thr Met Leu Thr Ala

1 5

<210> 14263

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14263

Ser Asn Ile Ile Gly Ser Asp

1 5

<210> 14264

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14264

Ser Val Ser Val Ser Lys Met

1 5

<210> 14265

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14265

Ala Ala Gln Val Ser His Ala

1 5

<210> 14266

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14266

Ile Asn Val Val Glu Lys Ala

1 5

<210> 14267

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14267

Met Leu Arg Gly Asp Leu Pro

1 5

<210> 14268

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14268

Asn Leu Pro Thr Met Gln Pro

1 5

<210> 14269

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14269

Phe Gln Asp Lys Ile Asn Arg

1 5

<210> 14270

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14270

Ser Arg Gln Thr Ile Glu Thr

1 5

<210> 14271

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14271

Leu His Ser Lys Leu Asn Gly

1 5

<210> 14272

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14272

Thr Pro Ser Ala Ser Asn Met

1 5

<210> 14273

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14273

Ala Asn Thr Ala Ile Arg Thr

1 5

<210> 14274

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14274

Ser Pro Tyr Asn Gln Asn Asn

1 5

<210> 14275

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14275

Ser Gly Lys Gln Gln Thr Thr

1 5

<210> 14276

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14276

Asn Leu Pro Val Gln Gly Ser

1 5

<210> 14277

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14277

Pro Asn Leu Thr Thr Glu Arg

1 5

<210> 14278

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14278

Ala Ser Leu Val Asn Thr Ala

1 5

<210> 14279

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14279

Ser Thr Ala Gly Asp Thr Arg

1 5

<210> 14280

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14280

Leu Arg Asp Thr Arg Thr Asp

1 5

<210> 14281

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14281

Leu Gln Gln Ala Gln Pro Gln

1 5

<210> 14282

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14282

Tyr Ser Pro His Val Thr Pro

1 5

<210> 14283

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14283

Leu Gln Ile Lys Thr Ser Pro

1 5

<210> 14284

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14284

Arg Val Pro Pro Asn Leu Gln

1 5

<210> 14285

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14285

Leu Ala Glu His Pro Lys Thr

1 5

<210> 14286

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14286

Ile Ala Ala Arg Ser Pro Leu

1 5

<210> 14287

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14287

Ser Gly Lys Gln His Glu Asp

1 5

<210> 14288

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14288

Ile Gly Asn Leu Gln Ala Thr

1 5

<210> 14289

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14289

Pro Asp Ala Ser Gln Arg Val

1 5

<210> 14290

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14290

Ala Val Asp Arg Met Thr Pro

1 5

<210> 14291

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14291

Phe Gly Arg Glu Lys Pro Ala

1 5

<210> 14292

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14292

Leu Asn Asn Arg Pro Gln Leu

1 5

<210> 14293

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14293

Asn Phe His Gly Arg Thr Asp

1 5

<210> 14294

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14294

Gly Val Arg Leu Ser Ser Thr

1 5

<210> 14295

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14295

Thr Val Asn Ser His Arg Gln

1 5

<210> 14296

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14296

Asn Ser Asn His Thr Pro Arg

1 5

<210> 14297

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14297

Ala Asn Thr Ile Thr Val Val

1 5

<210> 14298

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14298

Asp Val Thr Gln Ser Lys Pro

1 5

<210> 14299

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14299

Gly Asn His Ala Arg Asn Leu

1 5

<210> 14300

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14300

Gln His Arg Asp Thr Ser Met

1 5

<210> 14301

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14301

Leu Gln Gly Arg Leu Thr Ser

1 5

<210> 14302

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14302

Ile Ser Met Arg Glu Gln Ser

1 5

<210> 14303

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14303

Thr Arg Asn Phe Asp His Thr

1 5

<210> 14304

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14304

Ala Ser His Arg Ala Gln Ile

1 5

<210> 14305

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14305

Asn Gln Gln Ser Pro His Lys

1 5

<210> 14306

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14306

Arg Pro Gly Glu Ser Asn Pro

1 5

<210> 14307

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14307

Ala Arg Asp Ser Ser Ile Met

1 5

<210> 14308

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14308

Thr Gly Met Ser Thr Gln Val

1 5

<210> 14309

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14309

Met Gly Val Lys Ala Asp Ile

1 5

<210> 14310

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14310

Gln Phe Lys Gly Ile Thr Gln

1 5

<210> 14311

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14311

His Asn Asn Ser Pro Thr His

1 5

<210> 14312

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14312

Asp Ser Asn Phe Thr Ser Ala

1 5

<210> 14313

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14313

Ala Val Pro His Met Gly Thr

1 5

<210> 14314

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14314

Val Val Ser Pro Asn Leu Met

1 5

<210> 14315

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14315

Pro Phe Pro Lys Thr Leu Asp

1 5

<210> 14316

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14316

Gln Ser Ala Gly Leu Ala Glu

1 5

<210> 14317

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14317

Gly Lys Ala His Asp Leu Ala

1 5

<210> 14318

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14318

Gln Arg Ile Ser Thr Asn Ala

1 5

<210> 14319

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14319

Trp Leu Thr Thr Gly Ser Ser

1 5

<210> 14320

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14320

Tyr Arg Ala Gln Gly Pro Leu

1 5

<210> 14321

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14321

Val Met Lys Arg Tyr Asp Glu

1 5

<210> 14322

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14322

Leu Glu Tyr Ser Gln Arg Asp

1 5

<210> 14323

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14323

Leu Gln Lys Val His Leu Gly

1 5

<210> 14324

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14324

Arg Ser His Ser His Pro Ser

1 5

<210> 14325

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14325

His Thr Phe Thr Ser Thr Gly

1 5

<210> 14326

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14326

Ser Val Gly Ser Gly Pro Gly

1 5

<210> 14327

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14327

Gln Ser Phe Asn Gly Ser Asn

1 5

<210> 14328

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14328

Val Thr Ala Ile Arg Gly Ala

1 5

<210> 14329

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14329

Leu Gly Lys Thr Ser Tyr Ser

1 5

<210> 14330

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14330

Ser Thr Met Ala Met Ala Ser

1 5

<210> 14331

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14331

Ala Ser Gly Arg Ser Ser Ala

1 5

<210> 14332

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14332

Gly Arg Thr Pro Ala Val Glu

1 5

<210> 14333

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14333

Gly Arg Ile Asp Val Ser Ser

1 5

<210> 14334

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14334

Thr Pro Lys Val Asn Ser Ser

1 5

<210> 14335

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14335

Ser Val Arg Asn Ser Thr Thr

1 5

<210> 14336

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14336

Val Asn Gly Ala Gln Gln Ile

1 5

<210> 14337

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14337

Asn Arg Ala Glu Ser Phe Arg

1 5

<210> 14338

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14338

His Asp Arg Ala Ser Val Arg

1 5

<210> 14339

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14339

Asp Ser Pro Ser Arg Gly Arg

1 5

<210> 14340

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14340

Ser Asn Asn Ile His Ser Lys

1 5

<210> 14341

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14341

Ile Asn Asn Ile Val Ile Pro

1 5

<210> 14342

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14342

Ile Arg Ser Ser Asp Glu Thr

1 5

<210> 14343

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14343

Asn Met Pro Ser Leu Val Ala

1 5

<210> 14344

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14344

Asn Arg Thr Leu Glu Ser Ile

1 5

<210> 14345

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14345

Pro Gln His Asn Asn Gln Pro

1 5

<210> 14346

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14346

Leu Gly Tyr Asn Ala His Pro

1 5

<210> 14347

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14347

Leu Lys His Gln Tyr Asp Gly

1 5

<210> 14348

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14348

His Tyr Ser Pro Thr Arg Glu

1 5

<210> 14349

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14349

Ser Tyr Arg Ser Thr Ser Asp

1 5

<210> 14350

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14350

Val Thr Pro Thr Ala Ala Leu

1 5

<210> 14351

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14351

Leu Glu Gln Arg Tyr Ser Ser

1 5

<210> 14352

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14352

Met Asn Asn Ile Arg Gln Ser

1 5

<210> 14353

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14353

Ser Ser Arg Asn Asp Ala Ser

1 5

<210> 14354

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14354

Gly Thr Asp Arg Lys Pro Phe

1 5

<210> 14355

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14355

Arg Val Asn Lys Glu Asp Arg

1 5

<210> 14356

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14356

Thr Gly Arg Ser Leu Ala Thr

1 5

<210> 14357

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14357

Met Lys Ser Ser Thr Ser Asn

1 5

<210> 14358

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14358

Arg His Asp Leu Ala Ser Asn

1 5

<210> 14359

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14359

Leu Met Ala Val Ser Thr Pro

1 5

<210> 14360

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14360

Arg Glu Gly Ile Tyr Thr Leu

1 5

<210> 14361

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14361

Asp Asn Lys Gly Ser Leu Ser

1 5

<210> 14362

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14362

Lys Gly Gln Val Thr His Gly

1 5

<210> 14363

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14363

Ser Lys Thr Leu Asn Asn Leu

1 5

<210> 14364

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14364

Arg Asn Pro Gln Val Pro Thr

1 5

<210> 14365

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14365

Ser Ala Asn Ala Ser Asn Thr

1 5

<210> 14366

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14366

Gly Tyr Met Lys Pro Ala Ile

1 5

<210> 14367

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14367

Ser Ser His Gly Pro Thr Pro

1 5

<210> 14368

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14368

Ser Thr Arg Asn Pro Pro Gln

1 5

<210> 14369

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14369

Leu Asn Arg Ile Asn Glu Gln

1 5

<210> 14370

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14370

Gly Ala Ala Lys Ser Gln Asn

1 5

<210> 14371

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14371

Leu Pro Thr Leu His Gly Pro

1 5

<210> 14372

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14372

Val Pro Ser Thr Ile Lys Gly

1 5

<210> 14373

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14373

Thr Ser Ser Met Arg Glu Ser

1 5

<210> 14374

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14374

Leu Met Ser Ser Asn Asn Ala

1 5

<210> 14375

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14375

Ala Lys Thr Gln Ser Ala Thr

1 5

<210> 14376

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14376

Lys Glu Gly Gln Ser Arg Tyr

1 5

<210> 14377

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14377

Lys Val Asn Ser Ser Ala Thr

1 5

<210> 14378

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14378

Arg Thr Thr Ser Leu Val Ala

1 5

<210> 14379

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14379

Met Thr Asn Gln Ser Ala His

1 5

<210> 14380

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14380

Pro His Ile Arg Gly Glu Asn

1 5

<210> 14381

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14381

Arg Thr Gln Ser Ser Ile Ser

1 5

<210> 14382

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14382

Met Phe Thr Thr Thr Gly Ala

1 5

<210> 14383

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14383

Ser Asn Ile Lys Leu Met Ala

1 5

<210> 14384

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14384

Ser Thr Gln Gly Thr Arg Asp

1 5

<210> 14385

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14385

Ile Leu Ser Gly Arg Asn Gly

1 5

<210> 14386

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14386

Gly Leu Lys Val Ser Gly Ser

1 5

<210> 14387

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14387

Thr Gly Ala Asn Leu Pro Asn

1 5

<210> 14388

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14388

Tyr Ser Leu Ser Met Pro Asn

1 5

<210> 14389

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14389

Thr Phe Glu Arg Lys Ala Ala

1 5

<210> 14390

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14390

Leu Gly Arg Ala Ser Ser Val

1 5

<210> 14391

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14391

Arg Thr Lys Thr Ser Asp Gly

1 5

<210> 14392

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14392

Leu Asn Pro His Leu Gly Pro

1 5

<210> 14393

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14393

Ile Met Pro Asn Asn Thr Met

1 5

<210> 14394

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14394

His Lys Ser Asp Ser Gly Tyr

1 5

<210> 14395

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14395

Asp Arg Leu Asn Lys Asn Ser

1 5

<210> 14396

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14396

Met Ser Gly Gly Ser Ser Lys

1 5

<210> 14397

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14397

Gln Arg Glu Gln Gly Asn Ala

1 5

<210> 14398

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14398

Gly Gly Gly Asn Val Thr Ser

1 5

<210> 14399

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14399

Asn Leu Lys Asn Ala Tyr Val

1 5

<210> 14400

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14400

Ser Lys Asn Asp Arg Pro Gly

1 5

<210> 14401

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14401

Arg Gly Ser Gly Gln Asp Ile

1 5

<210> 14402

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14402

Val Gly Ser Asn Thr Ser Tyr

1 5

<210> 14403

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14403

Ser Pro Arg Ile Gly Ser Thr

1 5

<210> 14404

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14404

Gly Thr Leu Lys Glu Thr Ser

1 5

<210> 14405

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14405

Ser Ile Gln Arg Thr Val Ala

1 5

<210> 14406

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14406

Arg Gly Glu Ser Asn Gly Thr

1 5

<210> 14407

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14407

Glu Pro Ser Asn Ala Arg Val

1 5

<210> 14408

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14408

Ser Gln Ala Thr Met Asn Lys

1 5

<210> 14409

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14409

Ala Gln Gly Thr Ser Thr Thr

1 5

<210> 14410

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14410

Tyr Met Ser Lys Asn Asn Leu

1 5

<210> 14411

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14411

Asn Thr Thr Asn Met Ser Lys

1 5

<210> 14412

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14412

Ser Lys Ala Ser Lys Thr Glu

1 5

<210> 14413

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14413

Met Ala Gly Ser Ile Val Thr

1 5

<210> 14414

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14414

Val Asn Ser Ser Gln Thr Pro

1 5

<210> 14415

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14415

Thr Arg Ser Ala Leu Leu Asp

1 5

<210> 14416

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14416

Gly Ile Ser Tyr Ser Pro Ser

1 5

<210> 14417

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14417

His Gly Arg Glu Val Pro Gln

1 5

<210> 14418

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14418

Thr Arg Ser Ala Asp Asn Arg

1 5

<210> 14419

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14419

Ser Gly Asn Ser Ser Arg Gly

1 5

<210> 14420

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14420

Thr Thr Lys Gly Asn Pro Ser

1 5

<210> 14421

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14421

Asp Met Arg Ser Thr Arg Asp

1 5

<210> 14422

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14422

Leu Gly Asn Ser Leu Pro Ala

1 5

<210> 14423

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14423

Leu Thr Ser Met Ser Ile Pro

1 5

<210> 14424

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14424

Gly Thr His Ile Lys Gln Ala

1 5

<210> 14425

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14425

Thr Gln Gly Arg Ile Val Ser

1 5

<210> 14426

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14426

Leu Gly Gly Asn Asn Thr Leu

1 5

<210> 14427

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14427

Met Ser Ala Asn Asn Gly Arg

1 5

<210> 14428

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14428

Val Thr Asn Pro Met Ser Ala

1 5

<210> 14429

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14429

Glu Ala Tyr Lys Ser Thr Ser

1 5

<210> 14430

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14430

Arg Pro Asn Asn Gln Gly Gln

1 5

<210> 14431

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14431

Met Asn Phe Ala Gly Ser Gly

1 5

<210> 14432

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14432

Lys Thr Asn His Ser Ser Ser

1 5

<210> 14433

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14433

Asn Gly Tyr Gly Ser Gln Thr

1 5

<210> 14434

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14434

Lys Thr Gly His Gln Phe Thr

1 5

<210> 14435

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14435

Thr Ala Arg Thr Leu Gln Leu

1 5

<210> 14436

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14436

Gln Ala Ser Thr Thr Gln Ile

1 5

<210> 14437

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14437

Thr Ala Phe Asp Thr Arg Gly

1 5

<210> 14438

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14438

Val Asn Ser His Val Ala Arg

1 5

<210> 14439

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14439

Ser Pro Leu His Ser Asn Thr

1 5

<210> 14440

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14440

Leu Ser Arg Val Thr Ile Asn

1 5

<210> 14441

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14441

Thr Gln His Asn Val Asp Ser

1 5

<210> 14442

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14442

Thr Phe Gln Thr Ser Asn Ser

1 5

<210> 14443

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14443

Ser Asn His Val Ser Val Asn

1 5

<210> 14444

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14444

Met Leu His Ser Ser Ile Thr

1 5

<210> 14445

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14445

Leu Lys Ala Thr Asp Gly Ser

1 5

<210> 14446

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14446

Leu Gly Asn Met His Asn Met

1 5

<210> 14447

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14447

Ile Asn Arg Leu Ile Ser Gly

1 5

<210> 14448

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14448

Thr Arg Ser Asn Leu Ala Ser

1 5

<210> 14449

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14449

His Ser Asn Gly Val Arg Gly

1 5

<210> 14450

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14450

Ala Gly Asn Pro Arg Glu Lys

1 5

<210> 14451

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14451

Arg Ala Arg Asp Val Asp Glu

1 5

<210> 14452

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14452

Val Ser Asn Gly Pro Ser Leu

1 5

<210> 14453

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14453

Ala Asn Gln Arg Gly Val Gly

1 5

<210> 14454

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14454

Met Arg Ser Glu Thr Leu Asn

1 5

<210> 14455

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14455

Lys Pro Ser Ser Gln Leu Leu

1 5

<210> 14456

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14456

Ser Leu Arg Pro His Asp Arg

1 5

<210> 14457

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14457

Gly Ser Asn Ala Ser Lys Tyr

1 5

<210> 14458

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14458

Thr Asn Arg Asp Leu Gly Pro

1 5

<210> 14459

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14459

Trp Gly Ser Thr Ala Gly Ala

1 5

<210> 14460

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14460

Ile Ser Gly Ala Asp Arg Thr

1 5

<210> 14461

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14461

Ser Ala Val Arg Ser Pro Ile

1 5

<210> 14462

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14462

Arg Val Ser His Thr Glu Thr

1 5

<210> 14463

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14463

Lys Ala Asn Ser Gln Ile Thr

1 5

<210> 14464

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14464

Pro Ser Val Tyr Arg Glu Pro

1 5

<210> 14465

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14465

Thr Thr Asn Phe Val Thr Ser

1 5

<210> 14466

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14466

Asn Leu Met Pro Thr Asp Arg

1 5

<210> 14467

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14467

Thr Asn His Thr Gly Ser Gln

1 5

<210> 14468

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14468

His Trp Asn Gly Thr Asn Pro

1 5

<210> 14469

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14469

His Lys Ser Ile Gly Gln Glu

1 5

<210> 14470

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14470

Thr Arg Pro Ile Pro Ile Ser

1 5

<210> 14471

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14471

Asn Pro Gly Met Ser Arg Met

1 5

<210> 14472

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14472

Ile Ala Asn Arg Val Ser Pro

1 5

<210> 14473

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14473

Thr Ala Leu Ala Asn Gln Lys

1 5

<210> 14474

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14474

Thr Ser Leu Ser Ser Ser Ala

1 5

<210> 14475

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14475

Ala Leu Thr Gly Asn Met Ser

1 5

<210> 14476

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14476

Met Gln Thr Lys Asn Val Pro

1 5

<210> 14477

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14477

Gln Ala Thr Lys Thr Asn Val

1 5

<210> 14478

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14478

Leu His Thr Thr Ser Ser Val

1 5

<210> 14479

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14479

Tyr Val Gln Ser Ser Ser Asn

1 5

<210> 14480

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14480

Thr Met Lys Ile Arg Thr Glu

1 5

<210> 14481

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14481

Lys Ser His Ser Pro Gly Ser

1 5

<210> 14482

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14482

Lys Ala Val Asp Pro Pro Asn

1 5

<210> 14483

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14483

Asn Ala Pro Pro Met Ser Pro

1 5

<210> 14484

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14484

Ile Asn Lys Met Phe Thr Pro

1 5

<210> 14485

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14485

Tyr Ala Lys Ala Thr Leu Gly

1 5

<210> 14486

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14486

His Leu Ala Arg Pro Ser Glu

1 5

<210> 14487

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14487

Gln Leu Asn Ser Asp Arg Asn

1 5

<210> 14488

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14488

Met Arg Pro Asp Thr Ser Tyr

1 5

<210> 14489

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14489

Gly Val Ala Met Ser Ser Gly

1 5

<210> 14490

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14490

Gly His Ser Arg Pro Asp Arg

1 5

<210> 14491

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14491

Val Phe Gln Ala Thr Arg Thr

1 5

<210> 14492

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14492

Thr Ser Leu Thr Ser Tyr Thr

1 5

<210> 14493

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14493

Lys Leu Asn Thr Gly Asp Ile

1 5

<210> 14494

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14494

Arg Thr Asn Glu Thr Ile Val

1 5

<210> 14495

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14495

Arg Leu Gln Asn Ser Thr Pro

1 5

<210> 14496

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14496

Thr Ser Arg Leu Thr Ser Gly

1 5

<210> 14497

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14497

Ser Asn Thr Thr Phe Ser Ala

1 5

<210> 14498

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14498

Asp Gln Arg Ser Ser Pro Ala

1 5

<210> 14499

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14499

Val Gly Ser Gly Gly Ser Arg

1 5

<210> 14500

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14500

Arg Ser Thr Asn Ala Pro Asn

1 5

<210> 14501

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14501

Met Ala Gly Gln Gln Arg Leu

1 5

<210> 14502

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14502

Ile Arg Asn Ser Ala Pro Pro

1 5

<210> 14503

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14503

Leu Ser Thr Lys Ser Phe Asn

1 5

<210> 14504

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14504

Trp Pro Gly Ser Ile Thr Ala

1 5

<210> 14505

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14505

Thr Gly Gly Val His Ala Gln

1 5

<210> 14506

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14506

Ser Glu Arg Ser Ser Met Ala

1 5

<210> 14507

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14507

Phe Gln Asn Gly Arg Asn Asn

1 5

<210> 14508

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14508

Gly Gly Ser Arg Leu Pro Gln

1 5

<210> 14509

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14509

Gly Gly Asn Ser Leu Ser Val

1 5

<210> 14510

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14510

Ser Lys Lys Ile Asp His Gly

1 5

<210> 14511

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14511

Tyr Arg Asp Thr Leu Ala Ala

1 5

<210> 14512

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14512

Leu His Ser Gly Glu Arg Asn

1 5

<210> 14513

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14513

Ile Met Pro His Gly Ser Pro

1 5

<210> 14514

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14514

Thr Ala Arg Thr Leu Asn Met

1 5

<210> 14515

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14515

Ala Ser Val Gln Gly His Ser

1 5

<210> 14516

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14516

Leu Asn Asn Ala Gly Arg Ala

1 5

<210> 14517

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14517

Gly Leu Arg Gly Ser His Ala

1 5

<210> 14518

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14518

Phe Val Arg Asp Ser Tyr Ser

1 5

<210> 14519

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14519

Gly Arg Phe Thr Gly Thr Glu

1 5

<210> 14520

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14520

Arg Gln Asn Pro Ile Glu Leu

1 5

<210> 14521

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14521

Val Arg Asp Lys Phe Gly Thr

1 5

<210> 14522

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14522

Leu Pro Ser Asn Ser Asn Arg

1 5

<210> 14523

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14523

Val Arg Gln Glu His Thr Ser

1 5

<210> 14524

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14524

Ile Arg Gln Gly Pro Thr Asn

1 5

<210> 14525

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14525

Asp Tyr Ser Lys Ser Asn Thr

1 5

<210> 14526

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14526

Met Ser Asn Val Asn Val Ser

1 5

<210> 14527

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14527

Met Ser Ser Gly Arg Ser Leu

1 5

<210> 14528

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14528

Gly Leu Arg Asp Ile Arg Ala

1 5

<210> 14529

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14529

Leu Ile Ser Ala His Lys Gly

1 5

<210> 14530

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14530

Pro Ile Asn Thr His Ala Ala

1 5

<210> 14531

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14531

Met Pro His Val Gly Asn Ala

1 5

<210> 14532

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14532

Tyr Gly Ser Ser Ala Ile Asn

1 5

<210> 14533

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14533

His Ala Ser Met Pro Ser Ser

1 5

<210> 14534

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14534

Phe Gly Glu Asn Ala Arg Phe

1 5

<210> 14535

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14535

Ser Arg His Asp Leu Pro Ser

1 5

<210> 14536

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14536

Arg Ser Gln Gly Ala Asn Met

1 5

<210> 14537

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14537

Ala Asn Ser Asn Ser His Ser

1 5

<210> 14538

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14538

Gln Ala Arg Gln Asn Gln Gly

1 5

<210> 14539

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14539

Gly Val Ala Ser Asn Thr Thr

1 5

<210> 14540

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14540

Lys Tyr Ser Ser Ser Gln Ser

1 5

<210> 14541

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14541

Ser Ala Lys Thr Leu Asn Thr

1 5

<210> 14542

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14542

Gly Ile Arg Thr Thr Asn Ala

1 5

<210> 14543

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14543

Met Asn Thr Thr Ile Asn Arg

1 5

<210> 14544

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14544

Leu Lys Asn Thr Ser Leu Pro

1 5

<210> 14545

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14545

Thr Asn Arg Ala Ala Thr Met

1 5

<210> 14546

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14546

His Gly Tyr Pro Asn Val Pro

1 5

<210> 14547

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14547

Trp Gly Tyr Arg Gly Ala Glu

1 5

<210> 14548

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14548

Leu Leu Val Thr Asn Thr Ser

1 5

<210> 14549

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14549

Lys Asn Arg Leu Pro Pro Asp

1 5

<210> 14550

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14550

Tyr Arg Ser Gln Glu His Pro

1 5

<210> 14551

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14551

His Gly Gly Arg Val Ser Pro

1 5

<210> 14552

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14552

Gly Gln Asn Arg Leu Ala Ser

1 5

<210> 14553

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14553

Gln Ser Val Ser Ala Thr Arg

1 5

<210> 14554

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14554

Gln Arg Pro Ile Pro Gln Ala

1 5

<210> 14555

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14555

Gln Arg Ala Ile Gly Ile Glu

1 5

<210> 14556

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14556

Phe Gly His Val Gly Ile Asn

1 5

<210> 14557

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14557

Phe Glu His Val Arg Ser Glu

1 5

<210> 14558

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14558

Lys Ser Val Thr Ser Asn Thr

1 5

<210> 14559

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14559

Leu Thr Gly Asn Val Thr Ala

1 5

<210> 14560

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14560

Asn His Ala Tyr Pro Ser Ala

1 5

<210> 14561

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14561

Met Pro Gln Gly Lys Ser Val

1 5

<210> 14562

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14562

Leu Arg Thr Ala Ala Thr Ser

1 5

<210> 14563

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14563

Asp Ser Gln His Arg Val Ser

1 5

<210> 14564

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14564

Phe Leu Asn Glu His Thr Val

1 5

<210> 14565

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14565

Asn Ser Thr Gly Thr Ser Met

1 5

<210> 14566

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14566

His Ser Pro Pro Met Ser Ala

1 5

<210> 14567

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14567

Leu Met Ser Gln Arg Pro Thr

1 5

<210> 14568

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14568

Asn Thr Asn Val Asn Pro Pro

1 5

<210> 14569

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14569

Trp Gly Gly Tyr Ser Ser Ala

1 5

<210> 14570

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14570

Tyr Ser Leu Asn Pro Ser Gly

1 5

<210> 14571

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14571

Lys Glu Ser Lys Asp Arg Val

1 5

<210> 14572

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14572

Lys Leu Val Ser Ser Pro Asp

1 5

<210> 14573

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14573

Asn Thr Ala Ser His Asn Ala

1 5

<210> 14574

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14574

Asp Met Ser Asn Lys Thr Tyr

1 5

<210> 14575

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14575

Leu Val His Lys Asp Phe Pro

1 5

<210> 14576

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14576

Lys Pro Ala Leu Ala Gln Asn

1 5

<210> 14577

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14577

Gly Asn Ala Gln Pro Ser Lys

1 5

<210> 14578

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14578

Arg Val Ala His Thr Glu Asn

1 5

<210> 14579

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14579

Val Ser Ala Ser Phe Met Ala

1 5

<210> 14580

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14580

Arg Val Leu Thr Ala Asp Ala

1 5

<210> 14581

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14581

Thr Val Val Gly Thr Lys Gln

1 5

<210> 14582

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14582

Leu Ala Arg Thr Gln Pro Ser

1 5

<210> 14583

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14583

Met Ser Ser Ser His Ser Ala

1 5

<210> 14584

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14584

Pro Ser Ser Lys Ser Pro Ser

1 5

<210> 14585

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14585

Tyr Ser Gly Ala Met Ser Val

1 5

<210> 14586

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14586

Pro Pro Pro Thr Lys Ser Tyr

1 5

<210> 14587

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14587

Ser Ala Pro His Ala Thr Thr

1 5

<210> 14588

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14588

Ala Ser Lys Pro Met Val Ala

1 5

<210> 14589

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14589

Thr Leu Thr Tyr Gly Asp Arg

1 5

<210> 14590

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14590

Ala Arg Ser Asp Ser Lys Asp

1 5

<210> 14591

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14591

Met Ser Lys Ala Ala Ser Leu

1 5

<210> 14592

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14592

Ser Thr His Thr Ser Ala Val

1 5

<210> 14593

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14593

Thr Ala Arg Leu Gln Asp Gly

1 5

<210> 14594

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14594

Arg Pro Val Leu Gly Gln Pro

1 5

<210> 14595

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14595

Ala Ser Phe Lys Thr Glu Val

1 5

<210> 14596

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14596

Val Thr Arg Thr Val Asn Ala

1 5

<210> 14597

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14597

Asp His Ala Arg Ser Gly Gly

1 5

<210> 14598

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14598

Thr Thr His Leu Thr Val Ser

1 5

<210> 14599

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14599

Val Pro Lys Ser Asn Gly Thr

1 5

<210> 14600

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14600

Arg Leu Gly Val Gly Pro Glu

1 5

<210> 14601

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14601

Asn Asn Arg Gln Thr Ser Asp

1 5

<210> 14602

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14602

Arg Phe Thr Asn Asn Glu Ala

1 5

<210> 14603

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14603

Ser Ser His Gln Met Arg Gly

1 5

<210> 14604

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14604

Thr Thr Met Gly Thr Met Leu

1 5

<210> 14605

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14605

Thr Asn Gly Gly Val Pro Ile

1 5

<210> 14606

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14606

Lys Ser Asn Glu Gly Asn Gly

1 5

<210> 14607

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14607

Asn Val Ala Met Thr Thr Leu

1 5

<210> 14608

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14608

Tyr Ser Gly His Thr Pro Met

1 5

<210> 14609

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14609

Gly Thr Pro Asn Arg Ala Leu

1 5

<210> 14610

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14610

Arg Ser Gly Pro Thr Gln Pro

1 5

<210> 14611

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14611

Ile Phe Asn Leu Lys Gln Asp

1 5

<210> 14612

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14612

His Ala Met Ser Leu Ser Pro

1 5

<210> 14613

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14613

Ser Glu Ser Met Leu Arg Glu

1 5

<210> 14614

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14614

Leu Pro Arg Pro Pro Gln Ala

1 5

<210> 14615

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14615

Leu Gly Leu Gly Ala Leu Ser

1 5

<210> 14616

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14616

Ile Pro Lys Ser Ala Asp Ile

1 5

<210> 14617

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14617

Ala Gln Ser Leu Arg Thr Met

1 5

<210> 14618

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14618

Met Leu Thr Ser Ser Leu Asp

1 5

<210> 14619

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14619

Ile Tyr Arg Asp Asn Glu Arg

1 5

<210> 14620

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14620

Ser Pro Pro Thr Met Pro Ala

1 5

<210> 14621

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14621

Pro Met Arg Ser Gly Thr Pro

1 5

<210> 14622

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14622

Leu Leu Ser Lys Ser Ser Glu

1 5

<210> 14623

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14623

Thr Ala Asn Phe Gln Glu Arg

1 5

<210> 14624

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14624

Ser Gly Asn Arg Pro Val Thr

1 5

<210> 14625

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14625

Leu Asn Gln Val Asp Ser Arg

1 5

<210> 14626

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14626

Ile Thr Pro Ser Ser Ser Lys

1 5

<210> 14627

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14627

Asp Val Ser Leu Thr Lys Ala

1 5

<210> 14628

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14628

Ile Asn Met Arg Thr Ala Val

1 5

<210> 14629

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14629

Ser Lys Asn Thr Gly Ser Ala

1 5

<210> 14630

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14630

Gly Ser Ala His Gln Glu Pro

1 5

<210> 14631

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14631

Ser Lys Asn Ala Leu Asn His

1 5

<210> 14632

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14632

Gly Lys Ala Val Ser Val Ser

1 5

<210> 14633

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14633

Tyr Ser Gly Thr Gly Thr Val

1 5

<210> 14634

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14634

Ser Ile Pro Asp Arg Arg Gly

1 5

<210> 14635

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14635

Asn Ile Ala Asn Leu Asn Ala

1 5

<210> 14636

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14636

Ser Gly Ala Arg Glu Leu Asn

1 5

<210> 14637

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14637

Gly His Ser Tyr Thr Lys Glu

1 5

<210> 14638

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14638

Thr Leu Asn Ser Ile Arg Ala

1 5

<210> 14639

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14639

Leu Ser Leu Ser Ser Ile Ala

1 5

<210> 14640

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14640

Asn Val Ser Arg Val Thr Asn

1 5

<210> 14641

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14641

Tyr Asp Thr Thr Ala Asn Arg

1 5

<210> 14642

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14642

Ile Asp Arg Leu Asn Ser Ser

1 5

<210> 14643

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14643

Thr Thr Thr Asn Arg Ile Ser

1 5

<210> 14644

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14644

Phe Asn Thr Val Arg Asp Arg

1 5

<210> 14645

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14645

Arg Thr Leu Ala Asp Glu Leu

1 5

<210> 14646

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14646

Arg His Thr Ile Glu Gln Ala

1 5

<210> 14647

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14647

Gln Thr Met Gly Ser Ser Val

1 5

<210> 14648

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14648

Leu Asn Arg Pro Gln His Ser

1 5

<210> 14649

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14649

Met Ser Val Ala Leu Arg Gly

1 5

<210> 14650

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14650

Asp Asn Leu Ala Arg Met Gly

1 5

<210> 14651

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14651

Thr Ala His Asn Ala Leu Leu

1 5

<210> 14652

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14652

His Thr Asp Arg Ser Gly Leu

1 5

<210> 14653

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14653

Tyr Val Gly Gly Ile Val Pro

1 5

<210> 14654

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14654

Lys Pro Asn Gln Thr Pro Asn

1 5

<210> 14655

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14655

Ala Gly Ser Ser Leu Leu Pro

1 5

<210> 14656

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14656

Ser Asn Val His Asp Arg Ser

1 5

<210> 14657

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14657

Val Thr Lys Leu Gly Ser Pro

1 5

<210> 14658

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14658

Arg Gly Val Glu Arg Ser Ser

1 5

<210> 14659

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14659

Thr Ser Leu Ser Gly Ser Asn

1 5

<210> 14660

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14660

Leu Ser Leu Ser Thr Asn Asn

1 5

<210> 14661

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14661

Leu Gly Gln Ile Thr Arg Pro

1 5

<210> 14662

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14662

Asn Ala Ser Pro Gly Ser Ser

1 5

<210> 14663

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14663

Met Lys Ala Asn Ser Leu Ser

1 5

<210> 14664

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14664

His Lys Gly Met Ala Asn Ser

1 5

<210> 14665

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14665

Gly Arg Asn Asn Tyr Pro Asp

1 5

<210> 14666

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14666

Leu Pro Asp Gln Lys Trp Gln

1 5

<210> 14667

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14667

Gly Val Asn Asn Arg Gly Ser

1 5

<210> 14668

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14668

Asn Arg Ile Gly Met Gln Pro

1 5

<210> 14669

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14669

Glu Lys Val Pro Ser Leu Asn

1 5

<210> 14670

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14670

Gly Arg Asp Ser Ser Asn Pro

1 5

<210> 14671

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14671

Thr Gly Arg Pro Asn Leu Met

1 5

<210> 14672

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14672

Val Ala Gly Arg Ser Pro Met

1 5

<210> 14673

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14673

Leu Pro His Val Ser Val Pro

1 5

<210> 14674

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14674

Leu Arg Thr Gly Ser Phe Ala

1 5

<210> 14675

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14675

Ala Gly Val Ser Ser Gly Ser

1 5

<210> 14676

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14676

Trp Arg Asp Ser Gly His Gly

1 5

<210> 14677

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14677

Ser Phe Gly Asn Arg Pro Val

1 5

<210> 14678

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14678

Lys Val Ser His Asn Gly Asp

1 5

<210> 14679

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14679

Asn Thr Pro Pro Tyr Val Gln

1 5

<210> 14680

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14680

Lys Lys Asp Asn Asn Gln Pro

1 5

<210> 14681

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14681

Thr Ile Lys Ser Leu Pro Val

1 5

<210> 14682

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14682

Ile Asn Ala Met Arg Ser Gln

1 5

<210> 14683

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14683

Gly Asn Ser Ile Ala Lys Gly

1 5

<210> 14684

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14684

Val Thr Thr Pro Lys Ala Phe

1 5

<210> 14685

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14685

Gly Ser Val Ala Gly Ser Arg

1 5

<210> 14686

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14686

Ser Ala Asn Asn Ala Pro Lys

1 5

<210> 14687

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14687

Asp Arg Leu Asn Pro Leu Pro

1 5

<210> 14688

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14688

Arg Asn Gln Pro Thr Asp Val

1 5

<210> 14689

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14689

Thr Gln Val Gly Ser Gly Pro

1 5

<210> 14690

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14690

Leu Ser Gln Val Ser Arg Pro

1 5

<210> 14691

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14691

Asn Gly Ala Asn Leu Gln Met

1 5

<210> 14692

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14692

Met Leu Thr Thr Asn Ser Val

1 5

<210> 14693

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14693

Thr Ser Thr Arg Pro Ser Pro

1 5

<210> 14694

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14694

Lys Tyr Ile Gly Ser Gly Glu

1 5

<210> 14695

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14695

Asn Asn Leu Thr Arg Val Thr

1 5

<210> 14696

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14696

Lys Ile Glu Thr Met Met Pro

1 5

<210> 14697

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14697

Leu Ser His His Thr Arg Asp

1 5

<210> 14698

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14698

Thr Arg Thr Asn Pro Thr Glu

1 5

<210> 14699

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14699

Ser Thr Arg Asn Val Val Gly

1 5

<210> 14700

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14700

Ser Val Asp Leu Arg Lys Asp

1 5

<210> 14701

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14701

Asn Ala Ala Ala Pro Ala Arg

1 5

<210> 14702

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14702

Thr Gln Ile Ala Ile Ser Pro

1 5

<210> 14703

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14703

Gln Lys Asn Leu Ser Gln Ser

1 5

<210> 14704

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14704

Thr Ser Met Gly Gly Glu Pro

1 5

<210> 14705

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14705

Ser Thr Ser His Gln Asn Thr

1 5

<210> 14706

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14706

Leu Arg Gly Ser Met Gln Ser

1 5

<210> 14707

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14707

Val Thr His Gln Ile His Asn

1 5

<210> 14708

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14708

Asn Val Arg Asn Ala Pro Gly

1 5

<210> 14709

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14709

Gln Ser Arg Ser Ala Ala Ala

1 5

<210> 14710

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14710

His Asn Gln Ala Pro Ser Gly

1 5

<210> 14711

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14711

Ile Gly Ser Met His His Thr

1 5

<210> 14712

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14712

Thr Asn Pro Gly Pro Leu Ala

1 5

<210> 14713

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14713

Asn Thr Pro His Asn Ala Ser

1 5

<210> 14714

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14714

Arg Val Ile Gly Asn Ser Ser

1 5

<210> 14715

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14715

Ser Thr Gly Asn Arg Ser Val

1 5

<210> 14716

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14716

Met Asn Ser Glu Val Thr Arg

1 5

<210> 14717

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14717

Gln Gln Ala Lys Gly Ser Thr

1 5

<210> 14718

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14718

Leu Gly Ile Gln Arg Gly Gly

1 5

<210> 14719

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14719

His Val Gly Ala Ala Thr Ser

1 5

<210> 14720

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14720

Lys Trp Asn Ser Thr Met Glu

1 5

<210> 14721

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14721

Ser Arg Val Pro Glu Ser Asn

1 5

<210> 14722

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14722

Leu Met Ala Lys Ser Met Ser

1 5

<210> 14723

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14723

Arg Pro Met Glu Pro Ser Ile

1 5

<210> 14724

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14724

Gln Val Thr Ser Ser Arg Pro

1 5

<210> 14725

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14725

Arg Asp Ala Asn Met Ser Ser

1 5

<210> 14726

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14726

Gly Leu Leu Ser Gln Asp Gly

1 5

<210> 14727

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14727

Thr Ile Asn Ala His Ser Ile

1 5

<210> 14728

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14728

Leu Thr Gly Asn Lys Pro Gln

1 5

<210> 14729

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14729

Thr Phe Asp Thr Asn Lys Thr

1 5

<210> 14730

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14730

Thr Leu Gln Thr Thr Arg Leu

1 5

<210> 14731

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14731

Thr Ser Gln Met Arg Ser Pro

1 5

<210> 14732

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14732

Val Ser Pro Ser Asn Lys Ala

1 5

<210> 14733

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14733

Leu Asn Arg Thr Tyr Pro Pro

1 5

<210> 14734

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14734

Asn Ala Glu Leu Ala Val Arg

1 5

<210> 14735

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14735

Arg Pro Asn Thr Thr Thr Asp

1 5

<210> 14736

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14736

Thr Asn Arg Thr Gln Leu Tyr

1 5

<210> 14737

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14737

Pro Lys Ser Ser Gly Ile Asn

1 5

<210> 14738

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14738

Asn Asn Ser Asn Thr Arg Gln

1 5

<210> 14739

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14739

Arg Val Thr Asp Ala Gly Ser

1 5

<210> 14740

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14740

Asp Thr Pro Thr Thr Arg Thr

1 5

<210> 14741

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14741

Asn Leu Asn Leu Ser Met Ser

1 5

<210> 14742

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14742

Pro Asn Arg Thr Ala Asn Asn

1 5

<210> 14743

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14743

Trp Asn Arg Thr Ser Thr Ala

1 5

<210> 14744

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14744

Gln Ser Asn Pro Val Ile Pro

1 5

<210> 14745

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14745

Ile Arg Asn Val Thr Ser Asp

1 5

<210> 14746

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14746

Glu Val Thr Asp Thr Thr Arg

1 5

<210> 14747

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14747

Ala Gln Asn Lys Ser Gly Pro

1 5

<210> 14748

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14748

Tyr Ile Asn Gln Thr Glu Ser

1 5

<210> 14749

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14749

Arg Val Pro Val Ser Glu Asn

1 5

<210> 14750

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14750

Gln Asn Gly Thr Lys Leu Gln

1 5

<210> 14751

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14751

Gly Tyr Ser Asn Asn Thr Ala

1 5

<210> 14752

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14752

Asn Arg Gly Met Gly Asn Val

1 5

<210> 14753

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14753

Tyr Met Arg Asp Pro Ser Thr

1 5

<210> 14754

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14754

Ser Ile Pro Ser Arg Asp Val

1 5

<210> 14755

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14755

Gly Pro Val Ser Met Asn Ser

1 5

<210> 14756

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14756

Ser Glu Gly Val Thr Arg Leu

1 5

<210> 14757

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14757

Ser Val Asn Ala Gly Ala Met

1 5

<210> 14758

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14758

Glu Met Thr Lys Thr Ile Pro

1 5

<210> 14759

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14759

His Ala Ser Val Lys Met Pro

1 5

<210> 14760

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14760

Asn Asn Gly Leu Lys Leu Ser

1 5

<210> 14761

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14761

Pro Val Ser His Asn Ala Gly

1 5

<210> 14762

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14762

Lys Val Ala Ala Ala Ala Ala

1 5

<210> 14763

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14763

Met Ala Asn Ala Ile Arg Ser

1 5

<210> 14764

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14764

Phe Gly Gln Ser Thr Ser Gly

1 5

<210> 14765

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14765

Thr Ser Ser Thr Ile Leu Arg

1 5

<210> 14766

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14766

Asn Val Ser Arg Ala Glu His

1 5

<210> 14767

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14767

Arg Thr Ala Pro Ser Thr Glu

1 5

<210> 14768

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14768

Leu Ala Arg Ser Glu His Leu

1 5

<210> 14769

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14769

Ser Thr Gly His Pro Ser Gln

1 5

<210> 14770

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14770

Ser Arg Pro Asp Lys Asn Leu

1 5

<210> 14771

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14771

Lys Lys Ser Asp Ser Pro Asn

1 5

<210> 14772

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14772

Val Asn Ser Arg Ile Tyr Ala

1 5

<210> 14773

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14773

Leu Arg Gln Met Ala Asn Gly

1 5

<210> 14774

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14774

Glu Arg Leu Lys Gly Ser Ser

1 5

<210> 14775

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14775

Met Ser Tyr Met Arg Val Asp

1 5

<210> 14776

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14776

Phe Asn Ser Lys Leu Gln Leu

1 5

<210> 14777

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14777

Arg Glu His Val Asn Asp Ser

1 5

<210> 14778

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14778

Gly Ser Pro Ser Gln Asn Thr

1 5

<210> 14779

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14779

His Thr Ala Glu Lys Ala Pro

1 5

<210> 14780

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14780

Ser Met Ser Gly Lys Leu Asp

1 5

<210> 14781

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14781

Thr Ser Gln Ser Arg Thr Ser

1 5

<210> 14782

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14782

Trp Pro Thr Gln Ser Gly Ser

1 5

<210> 14783

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14783

Asp Asn Thr Thr Arg Leu Lys

1 5

<210> 14784

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14784

Ser Ser Ala Ala Gly Lys Trp

1 5

<210> 14785

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14785

Ser Lys Phe Ala His Val Ala

1 5

<210> 14786

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14786

Gln Thr Tyr Gln Gly Ser Thr

1 5

<210> 14787

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14787

Thr Val Asn Leu Asn Arg Ala

1 5

<210> 14788

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14788

Arg Tyr Gly Ser Ser Leu Pro

1 5

<210> 14789

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14789

Arg Ser Asn Ser Ser Asn Leu

1 5

<210> 14790

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14790

Gln Gly Pro Ser Ile Arg Asp

1 5

<210> 14791

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14791

Trp Arg Asp Leu Ala Pro Val

1 5

<210> 14792

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14792

His Ser Asp Ile Gln Arg Pro

1 5

<210> 14793

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14793

Leu Ala Ala Met Thr Asn Ala

1 5

<210> 14794

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14794

Ser Ala Asn His Thr His Thr

1 5

<210> 14795

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14795

Gly Lys Leu Ser Val Glu Asn

1 5

<210> 14796

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14796

Lys Pro Gly Ala Asn Pro Pro

1 5

<210> 14797

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14797

Leu Thr Glu Gly Arg His Asp

1 5

<210> 14798

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14798

Leu Gly Ser Asn Ile Tyr Pro

1 5

<210> 14799

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14799

Asn Gly Ala His Ser Ser Glu

1 5

<210> 14800

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14800

Asn Thr Met Gly Gly Ala Ala

1 5

<210> 14801

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14801

Arg Thr Pro Ile Gly Gln Pro

1 5

<210> 14802

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14802

Tyr Ser Val Ala Gln Gln Pro

1 5

<210> 14803

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14803

Pro His Ser Lys Gly Met Leu

1 5

<210> 14804

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14804

Val Pro Ala His Gly Met Gly

1 5

<210> 14805

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14805

Ile Gly Gly Val Pro Gln Arg

1 5

<210> 14806

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14806

Val Gln Gly Thr Val Ser Arg

1 5

<210> 14807

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14807

Ser Gly Gly Ser Gly Ala Pro

1 5

<210> 14808

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14808

Lys Val Pro Thr Gln Thr Glu

1 5

<210> 14809

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14809

Ile Ser Thr Met Lys Pro Ser

1 5

<210> 14810

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14810

Ser Arg Val Val Glu Gln Ala

1 5

<210> 14811

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14811

Val Leu Ser Arg Gln Ser Thr

1 5

<210> 14812

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14812

Val Val Thr Thr Ser Ser Met

1 5

<210> 14813

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14813

Ser Thr Gly Ser Ser Gly Leu

1 5

<210> 14814

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14814

Pro Asn Arg Ala Ala Asn Asn

1 5

<210> 14815

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14815

Tyr Pro Val Asn Ser Gln Pro

1 5

<210> 14816

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14816

Lys Ser Ala Ser Pro Tyr Asp

1 5

<210> 14817

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14817

Ser Lys Ser Trp Gly Ala Ala

1 5

<210> 14818

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14818

Ser Ala Met Leu Lys Val Asp

1 5

<210> 14819

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14819

Arg Ser Gln Thr Ile Gln Ala

1 5

<210> 14820

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14820

Pro Ser Ser Arg Leu Gly Asp

1 5

<210> 14821

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14821

Ile Gly Pro Arg Gly Thr Gln

1 5

<210> 14822

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14822

Ala Ser Lys Gly Gln Tyr Leu

1 5

<210> 14823

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14823

Val Arg Thr Leu Thr Val Asp

1 5

<210> 14824

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14824

Arg Gly Asn Ala Ala Asn Glu

1 5

<210> 14825

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14825

Phe Gly Ser His Pro Ser Val

1 5

<210> 14826

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14826

Gly His Pro Thr Pro Val Asn

1 5

<210> 14827

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14827

Ser Leu Asn Pro Val Arg Met

1 5

<210> 14828

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14828

Ser Ile Arg Gly Gln Pro Phe

1 5

<210> 14829

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14829

Thr Ala Lys Phe Asn Gln Gly

1 5

<210> 14830

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14830

Leu Ile Ser Thr His Asp Met

1 5

<210> 14831

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14831

Gln Ser Arg Asp Asn Ile Arg

1 5

<210> 14832

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14832

Asn Asn Gly Asn Lys Gly Phe

1 5

<210> 14833

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14833

Asn Val Asn Tyr Asp Gly Arg

1 5

<210> 14834

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14834

Phe Met Lys Gly Ala Ser Ala

1 5

<210> 14835

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14835

Leu Ala Thr Ser Thr Gln Met

1 5

<210> 14836

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14836

Val His Gly Gly Tyr Ser Ala

1 5

<210> 14837

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14837

Arg Gly Ser Glu Pro Met Gln

1 5

<210> 14838

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14838

Gly Leu Arg Thr Ser Gly Thr

1 5

<210> 14839

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14839

Leu Tyr Lys Gly Gly Val Ser

1 5

<210> 14840

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14840

Met Lys Thr His Ser Pro Pro

1 5

<210> 14841

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14841

gcccaaagca acagcatcag actcgtcgca cag 33

<210> 14842

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14842

gcccaaccca acaccatcag aaacgtcgca cag 33

<210> 14843

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14843

gcccaaacca gcctcggcta cagcagcgca cag 33

<210> 14844

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14844

gcccaaatgg gcgccgacca cagaaccgca cag 33

<210> 14845

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14845

gcccaaggtg ataatagtct gactagggca cag 33

<210> 14846

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14846

gcccaaaccc cccaaagcca agaaatggca cag 33

<210> 14847

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14847

gcccaaagcg gcgtcagcac caccgacgca cag 33

<210> 14848

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14848

gcccaagaag gcctcggcaa cgccgccgca cag 33

<210> 14849

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14849

gcccaaattg ctgagaatct gagtgctgca cag 33

<210> 14850

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14850

gcccaactcg gcgacatcac cggcttcgca cag 33

<210> 14851

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14851

gcccaaagtc agctgcatag gttgcaggca cag 33

<210> 14852

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14852

gcccaaccta ttattactat gcctgctgca cag 33

<210> 14853

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14853

gcccaatgga gccacagcga aaacagcgca cag 33

<210> 14854

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14854

gcccaattga ctcagcagac ggatgttgca cag 33

<210> 14855

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14855

gcccaaggta tgagtggggt tgctcaggca cag 33

<210> 14856

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14856

gcccaaccga ctaatattat gcttgatgca cag 33

<210> 14857

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14857

gcccaaaacc ccaccctcat caccctcgca cag 33

<210> 14858

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14858

gcccaaccgg gtgggggttt gactccggca cag 33

<210> 14859

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14859

gcccaagatc gtgattctgt gcagaatgca cag 33

<210> 14860

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14860

gcccaactta atgggttgaa tgtgtctgca cag 33

<210> 14861

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14861

gcccaagccc aaaccagcaa cgaccccgca cag 33

<210> 14862

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14862

gcccaatctg cgcctaatgt gactattgca cag 33

<210> 14863

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14863

gcccaaccca acatgagcgc catgatcgca cag 33

<210> 14864

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14864

gcccaataca gcgccgacaa aaccaccgca cag 33

<210> 14865

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14865

gcccaacgtg tggatgcggt tttgagtgca cag 33

<210> 14866

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14866

gcccaaggca ccgccgtctt caccgccgca cag 33

<210> 14867

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14867

gcccaaaccc tcagcggcgc cctcaccgca cag 33

<210> 14868

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14868

gcccaacacg ccgacaacag actcaaagca cag 33

<210> 14869

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14869

gcccaaactc agggtccggg tccgaaggca cag 33

<210> 14870

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14870

gcccaagtcg acgccctcag ccacatggca cag 33

<210> 14871

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14871

gcccaacgga atgatgcgat tctgaatgca cag 33

<210> 14872

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14872

gcccaattga cggtggcggt tgagactgca cag 33

<210> 14873

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14873

gcccaaagcc aagccatcgc ccccaaagca cag 33

<210> 14874

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14874

gcccaagtcc tcagcgtcaa ccacctcgca cag 33

<210> 14875

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14875

gcccaaagca tctactacca caccgaagca cag 33

<210> 14876

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14876

gcccaaatga acatcctcag agaagtcgca cag 33

<210> 14877

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14877

gcccaaaata tgcttaagca gagtgaggca cag 33

<210> 14878

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14878

gcccaattca tgcccatcag cagcgccgca cag 33

<210> 14879

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14879

gcccaaaaga atgctccgat gcctgatgca cag 33

<210> 14880

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14880

gcccaaacca actacgacct cagagccgca cag 33

<210> 14881

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14881

Ala Gln Ser Asn Ser Ile Arg Leu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 14882

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14882

Ala Gln Pro Asn Thr Ile Arg Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 14883

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14883

Ala Gln Thr Ser Leu Gly Tyr Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 14884

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14884

Ala Gln Met Gly Ala Asp His Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 14885

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14885

Ala Gln Gly Asp Asn Ser Leu Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 14886

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14886

Ala Gln Thr Pro Gln Ser Gln Glu Met Ala Gln

1 5 10

<210> 14887

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14887

Ala Gln Ser Gly Val Ser Thr Thr Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 14888

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14888

Ala Gln Glu Gly Leu Gly Asn Ala Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 14889

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14889

Ala Gln Ile Ala Glu Asn Leu Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 14890

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14890

Ala Gln Leu Gly Asp Ile Thr Gly Phe Ala Gln

1 5 10

<210> 14891

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14891

Ala Gln Ser Gln Leu His Arg Leu Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 14892

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14892

Ala Gln Pro Ile Ile Thr Met Pro Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 14893

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14893

Ala Gln Trp Ser His Ser Glu Asn Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 14894

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14894

Ala Gln Leu Thr Gln Gln Thr Asp Val Ala Gln

1 5 10

<210> 14895

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14895

Ala Gln Gly Met Ser Gly Val Ala Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 14896

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14896

Ala Gln Pro Thr Asn Ile Met Leu Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 14897

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14897

Ala Gln Asn Pro Thr Leu Ile Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 14898

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14898

Ala Gln Pro Gly Gly Gly Leu Thr Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 14899

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14899

Ala Gln Asp Arg Asp Ser Val Gln Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 14900

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14900

Ala Gln Leu Asn Gly Leu Asn Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 14901

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14901

Ala Gln Ala Gln Thr Ser Asn Asp Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 14902

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14902

Ala Gln Ser Ala Pro Asn Val Thr Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 14903

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14903

Ala Gln Pro Asn Met Ser Ala Met Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 14904

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14904

Ala Gln Tyr Ser Ala Asp Lys Thr Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 14905

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14905

Ala Gln Arg Val Asp Ala Val Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 14906

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14906

Ala Gln Gly Thr Ala Val Phe Thr Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 14907

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14907

Ala Gln Thr Leu Ser Gly Ala Leu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 14908

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14908

Ala Gln His Ala Asp Asn Arg Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 14909

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14909

Ala Gln Thr Gln Gly Pro Gly Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 14910

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14910

Ala Gln Val Asp Ala Leu Ser His Met Ala Gln

1 5 10

<210> 14911

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14911

Ala Gln Arg Asn Asp Ala Ile Leu Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 14912

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14912

Ala Gln Leu Thr Val Ala Val Glu Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 14913

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14913

Ala Gln Ser Gln Ala Ile Ala Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 14914

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14914

Ala Gln Val Leu Ser Val Asn His Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 14915

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14915

Ala Gln Ser Ile Tyr Tyr His Thr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 14916

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14916

Ala Gln Met Asn Ile Leu Arg Glu Val Ala Gln

1 5 10

<210> 14917

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14917

Ala Gln Asn Met Leu Lys Gln Ser Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 14918

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14918

Ala Gln Phe Met Pro Ile Ser Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 14919

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14919

Ala Gln Lys Asn Ala Pro Met Pro Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 14920

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14920

Ala Gln Thr Asn Tyr Asp Leu Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 14921

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14921

Ser Asn Ser Ile Arg Leu Val

1 5

<210> 14922

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14922

Pro Asn Thr Ile Arg Asn Val

1 5

<210> 14923

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14923

Thr Ser Leu Gly Tyr Ser Ser

1 5

<210> 14924

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14924

Met Gly Ala Asp His Arg Thr

1 5

<210> 14925

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14925

Gly Asp Asn Ser Leu Thr Arg

1 5

<210> 14926

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14926

Thr Pro Gln Ser Gln Glu Met

1 5

<210> 14927

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14927

Ser Gly Val Ser Thr Thr Asp

1 5

<210> 14928

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14928

Glu Gly Leu Gly Asn Ala Ala

1 5

<210> 14929

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14929

Ile Ala Glu Asn Leu Ser Ala

1 5

<210> 14930

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14930

Leu Gly Asp Ile Thr Gly Phe

1 5

<210> 14931

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14931

Ser Gln Leu His Arg Leu Gln

1 5

<210> 14932

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14932

Pro Ile Ile Thr Met Pro Ala

1 5

<210> 14933

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14933

Trp Ser His Ser Glu Asn Ser

1 5

<210> 14934

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14934

Leu Thr Gln Gln Thr Asp Val

1 5

<210> 14935

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14935

Gly Met Ser Gly Val Ala Gln

1 5

<210> 14936

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14936

Pro Thr Asn Ile Met Leu Asp

1 5

<210> 14937

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14937

Asn Pro Thr Leu Ile Thr Leu

1 5

<210> 14938

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14938

Pro Gly Gly Gly Leu Thr Pro

1 5

<210> 14939

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14939

Asp Arg Asp Ser Val Gln Asn

1 5

<210> 14940

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14940

Leu Asn Gly Leu Asn Val Ser

1 5

<210> 14941

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14941

Ala Gln Thr Ser Asn Asp Pro

1 5

<210> 14942

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14942

Ser Ala Pro Asn Val Thr Ile

1 5

<210> 14943

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14943

Pro Asn Met Ser Ala Met Ile

1 5

<210> 14944

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14944

Tyr Ser Ala Asp Lys Thr Thr

1 5

<210> 14945

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14945

Arg Val Asp Ala Val Leu Ser

1 5

<210> 14946

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14946

Gly Thr Ala Val Phe Thr Ala

1 5

<210> 14947

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14947

Thr Leu Ser Gly Ala Leu Thr

1 5

<210> 14948

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14948

His Ala Asp Asn Arg Leu Lys

1 5

<210> 14949

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14949

Thr Gln Gly Pro Gly Pro Lys

1 5

<210> 14950

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14950

Val Asp Ala Leu Ser His Met

1 5

<210> 14951

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14951

Arg Asn Asp Ala Ile Leu Asn

1 5

<210> 14952

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14952

Leu Thr Val Ala Val Glu Thr

1 5

<210> 14953

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14953

Ser Gln Ala Ile Ala Pro Lys

1 5

<210> 14954

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14954

Val Leu Ser Val Asn His Leu

1 5

<210> 14955

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14955

Ser Ile Tyr Tyr His Thr Glu

1 5

<210> 14956

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14956

Met Asn Ile Leu Arg Glu Val

1 5

<210> 14957

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14957

Asn Met Leu Lys Gln Ser Glu

1 5

<210> 14958

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14958

Phe Met Pro Ile Ser Ser Ala

1 5

<210> 14959

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14959

Lys Asn Ala Pro Met Pro Asp

1 5

<210> 14960

<211> 7

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14960

Thr Asn Tyr Asp Leu Arg Ala

1 5

<210> 14961

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14961

gcccaaaaag cctacagcgt ccaagtcgca cag 33

<210> 14962

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14962

gcccaaagaa ccgccaacgc cctcggcgca cag 33

<210> 14963

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14963

gcccaagtga cgggggttcg gattggggca cag 33

<210> 14964

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14964

gcccaaccgc ggccggtgtc gaatggggca cag 33

<210> 14965

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14965

gcccaattca gcgtcaccag acaagccgca cag 33

<210> 14966

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14966

gcccaatacc cccacatgac ccacgacgca cag 33

<210> 14967

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14967

gcccaaagca gcagactcag cgtcggcgca cag 33

<210> 14968

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14968

gcccaaccgt tgagtggggg tgttcgtgca cag 33

<210> 14969

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14969

gcccaagggc tgaaggtgtc tgggtctgca cag 33

<210> 14970

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14970

gcccaaagca ccagaaacgt cgtcggcgca cag 33

<210> 14971

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14971

gcccaaagcg gcggcaccag agaaggcgca cag 33

<210> 14972

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14972

gcccaagggc tgaaggtgtc tgggtctgca cag 33

<210> 14973

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14973

gcccaaaaca acaaccaaaa agtctacgca cag 33

<210> 14974

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14974

gcccaaaggc ttgataggac tggtttggca cag 33

<210> 14975

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14975

gcccaagtgg cgggtctgac tgttcaggca cag 33

<210> 14976

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14976

gcccaacatt ctgcgaagac tattgcggca cag 33

<210> 14977

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14977

gcccaaagca tcagagcccc cgtcagcgca cag 33

<210> 14978

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14978

gcccaacccg tcggcaccag aaccagcgca cag 33

<210> 14979

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14979

gcccaaatca acaccgccag ctacaaagca cag 33

<210> 14980

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14980

gcccaaggga ggacggtgca ggatagggca cag 33

<210> 14981

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14981

gcccaaagac tcaccaacag caaccaagca cag 33

<210> 14982

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14982

gcccaaatga tcagaggcac cagcagcgca cag 33

<210> 14983

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14983

gcccaatttt ctggtagtgc tagggttgca cag 33

<210> 14984

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14984

gcccaacgtc agcatcagct tcctatggca cag 33

<210> 14985

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14985

gcccaacccc tcagaaacat cagcgccgca cag 33

<210> 14986

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14986

gcccaaccgt atagtgggca gcggactgca cag 33

<210> 14987

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14987

gcccaacctt ctggttctgc gcggagtgca cag 33

<210> 14988

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14988

gcccaaccgc gtcatgcgac tcagtcggca cag 33

<210> 14989

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14989

gcccaatcga aggttacgcc tcctctggca cag 33

<210> 14990

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14990

gcccaaaata cttctggtgt gcctaaggca cag 33

<210> 14991

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14991

gcccaaacca gaagcgaagt catgaaagca cag 33

<210> 14992

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14992

gcccaacgga cggatgtgcg gacgaatgca cag 33

<210> 14993

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14993

gcccaaatgc tcagcggcca agccagagca cag 33

<210> 14994

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14994

gcccaatcta tgcttacgag tattgttgca cag 33

<210> 14995

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14995

gcccaactta ggggttctgc tcaggtggca cag 33

<210> 14996

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14996

gcccaaaaag ccatcagcac cgccaacgca cag 33

<210> 14997

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14997

gcccaaatca gcggcgtcca aaccagagca cag 33

<210> 14998

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14998

gcccaaaagc gggcgcctgc tgattctgca cag 33

<210> 14999

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 14999

gcccaagcta atgcgatggg tgatcatgca cag 33

<210> 15000

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15000

gcccaaaaca ccctcatcaa cgtcagcgca cag 33

<210> 15001

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15001

gcccaatggt ctgatcctag tgatctggca cag 33

<210> 15002

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15002

gcccaaagaa tcagcaccct cggcctcgca cag 33

<210> 15003

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15003

gcccaattta aggttagtat tcagcaggca cag 33

<210> 15004

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15004

gcccaacttt ctactgcgtt gactgtggca cag 33

<210> 15005

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15005

gcccaagccg aatacaacac cggcgtcgca cag 33

<210> 15006

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15006

gcccaaattt cggcttctca ttctcgtgca cag 33

<210> 15007

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15007

gcccaagtca acagccacga aagagccgca cag 33

<210> 15008

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15008

gcccaaggtc ttcagtcgcc gaggtctgca cag 33

<210> 15009

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15009

gcccaagggg ctgctggtaa gagtttggca cag 33

<210> 15010

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15010

gcccaactca gcaacagcgc cagccaagca cag 33

<210> 15011

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15011

gcccaaaaac tcagcaccct ccaccaagca cag 33

<210> 15012

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15012

gcccaaatga gaggccaagg cgtccacgca cag 33

<210> 15013

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15013

gcccaacttc cgggtggtgc gaggttggca cag 33

<210> 15014

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15014

gcccaacttg gttctgcgct tacgagggca cag 33

<210> 15015

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15015

gcccaaggca ccaccagaag ccccaccgca cag 33

<210> 15016

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15016

gcccaaggtc atatttcggc gcttgcggca cag 33

<210> 15017

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15017

gcccaatcga tttctcctcc tcgtacggca cag 33

<210> 15018

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15018

gcccaatttc agcaggatac ttatctggca cag 33

<210> 15019

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15019

gcccaacttc ttgcgactgg gcttaaggca cag 33

<210> 15020

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15020

gcccaactta aggttgcgtc tggtttggca cag 33

<210> 15021

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15021

gcccaattcg acaaccccaa caacgtcgca cag 33

<210> 15022

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15022

gcccaatacc tcaccagcgg cggctacgca cag 33

<210> 15023

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15023

gcccaaagag acaccgtcag cagatacgca cag 33

<210> 15024

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15024

gcccaaatca acaaagacaa caaccaagca cag 33

<210> 15025

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15025

gcccaaatgg ccaacaccag aagcgccgca cag 33

<210> 15026

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15026

gcccaagaaa gcatccaaca actcagcgca cag 33

<210> 15027

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15027

gcccaactca ccagagtcgg caccgtcgca cag 33

<210> 15028

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15028

gcccaagtcc aagtcgccat gagagccgca cag 33

<210> 15029

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15029

gcccaaacgg ctgcgcatgt tagttatgca cag 33

<210> 15030

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15030

gcccaaccca gccacgccag agccagcgca cag 33

<210> 15031

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15031

gcccaaaatg tgccgacttc gccgcgggca cag 33

<210> 15032

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15032

gcccaaaaaa cccaactcgg ccaaatggca cag 33

<210> 15033

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15033

gcccaaaaag ccaacagcca aatcaccgca cag 33

<210> 15034

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15034

gcccaaaaca acagcggcca catcagcgca cag 33

<210> 15035

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15035

gcccaatttc ttcttacttc ggatccggca cag 33

<210> 15036

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15036

gcccaagtta agactgatcg ggttctggca cag 33

<210> 15037

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15037

gcccaagtca gcatcagcgt catgggcgca cag 33

<210> 15038

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15038

gcccaagccg gcctcgccca cgccaccgca cag 33

<210> 15039

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15039

gcccaacgga ctacggctaa ttcgcttgca cag 33

<210> 15040

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15040

gcccaatcgg ttcctccgaa taggaatgca cag 33

<210> 15041

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15041

gcccaacaca gcggccccac cagcagcgca cag 33

<210> 15042

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15042

gcccaaaaaa ccaacaacac cgtcctcgca cag 33

<210> 15043

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15043

gcccaacccg ccagaatccc cggcagcgca cag 33

<210> 15044

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15044

gcccaattgt ctgctcagct tccgcgggca cag 33

<210> 15045

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15045

gcccaagttg gttctagtaa tacgtatgca cag 33

<210> 15046

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15046

gcccaactca tcagcaccac ccacagagca cag 33

<210> 15047

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15047

gcccaatatg ttaatagtgc tccgaaggca cag 33

<210> 15048

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15048

gcccaaaaca acaaccaaaa agtctacgca cag 33

<210> 15049

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15049

gcccaaggca ccaaaaccca cagcctcgca cag 33

<210> 15050

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15050

gcccaaccca tcagcgccaa cagactcgca cag 33

<210> 15051

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15051

gcccaacacc ccagcctcag acaaagcgca cag 33

<210> 15052

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15052

gcccaaccca acagagccgc caacaacgca cag 33

<210> 15053

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15053

gcccaaccca gccacgccag agccagcgca cag 33

<210> 15054

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15054

Ala Gln Lys Ala Tyr Ser Val Gln Val Ala Gln

1 5 10

<210> 15055

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400

> 15055

Ala Gln Arg Thr Ala Asn Ala Leu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 15056

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15056

Ala Gln Val Thr Gly Val Arg Ile Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 15057

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15057

Ala Gln Pro Arg Pro Val Ser Asn Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 15058

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15058

Ala Gln Phe Ser Val Thr Arg Gln Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 15059

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15059

Ala Gln Tyr Pro His Met Thr His Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 15060

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15060

Ala Gln Ser Ser Arg Leu Ser Val Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 15061

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15061

Ala Gln Pro Leu Ser Gly Gly Val Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 15062

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15062

Ala Gln Gly Leu Lys Val Ser Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 15063

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15063

Ala Gln Ser Thr Arg Asn Val Val Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 15064

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15064

Ala Gln Ser Gly Gly Thr Arg Glu Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 15065

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15065

Ala Gln Gly Leu Lys Val Ser Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 15066

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15066

Ala Gln Asn Asn Asn Gln Lys Val Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 15067

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15067

Ala Gln Arg Leu Asp Arg Thr Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 15068

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15068

Ala Gln Val Ala Gly Leu Thr Val Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 15069

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15069

Ala Gln His Ser Ala Lys Thr Ile Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 15070

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15070

Ala Gln Ser Ile Arg Ala Pro Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 15071

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15071

Ala Gln Pro Val Gly Thr Arg Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 15072

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15072

Ala Gln Ile Asn Thr Ala Ser Tyr Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15073

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15073

Ala Gln Gly Arg Thr Val Gln Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 15074

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15074

Ala Gln Arg Leu Thr Asn Ser Asn Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 15075

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15075

Ala Gln Met Ile Arg Gly Thr Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 15076

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15076

Ala Gln Phe Ser Gly Ser Ala Arg Val Ala Gln

1 5 10

<210> 15077

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15077

Ala Gln Arg Gln His Gln Leu Pro Met Ala Gln

1 5 10

<210> 15078

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15078

Ala Gln Pro Leu Arg Asn Ile Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 15079

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15079

Ala Gln Pro Tyr Ser Gly Gln Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 15080

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15080

Ala Gln Pro Ser Gly Ser Ala Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 15081

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15081

Ala Gln Pro Arg His Ala Thr Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 15082

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15082

Ala Gln Ser Lys Val Thr Pro Pro Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 15083

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15083

Ala Gln Asn Thr Ser Gly Val Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15084

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15084

Ala Gln Thr Arg Ser Glu Val Met Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15085

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15085

Ala Gln Arg Thr Asp Val Arg Thr Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 15086

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15086

Ala Gln Met Leu Ser Gly Gln Ala Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 15087

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15087

Ala Gln Ser Met Leu Thr Ser Ile Val Ala Gln

1 5 10

<210> 15088

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15088

Ala Gln Leu Arg Gly Ser Ala Gln Val Ala Gln

1 5 10

<210> 15089

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15089

Ala Gln Lys Ala Ile Ser Thr Ala Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 15090

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15090

Ala Gln Ile Ser Gly Val Gln Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 15091

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15091

Ala Gln Lys Arg Ala Pro Ala Asp Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 15092

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15092

Ala Gln Ala Asn Ala Met Gly Asp His Ala Gln

1 5 10

<210> 15093

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15093

Ala Gln Asn Thr Leu Ile Asn Val Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 15094

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15094

Ala Gln Trp Ser Asp Pro Ser Asp Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 15095

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15095

Ala Gln Arg Ile Ser Thr Leu Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 15096

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15096

Ala Gln Phe Lys Val Ser Ile Gln Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 15097

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15097

Ala Gln Leu Ser Thr Ala Leu Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 15098

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15098

Ala Gln Ala Glu Tyr Asn Thr Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 15099

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15099

Ala Gln Ile Ser Ala Ser His Ser Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 15100

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15100

Ala Gln Val Asn Ser His Glu Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 15101

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15101

Ala Gln Gly Leu Gln Ser Pro Arg Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 15102

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15102

Ala Gln Gly Ala Ala Gly Lys Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 15103

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15103

Ala Gln Leu Ser Asn Ser Ala Ser Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 15104

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15104

Ala Gln Lys Leu Ser Thr Leu His Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 15105

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15105

Ala Gln Met Arg Gly Gln Gly Val His Ala Gln

1 5 10

<210> 15106

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15106

Ala Gln Leu Pro Gly Gly Ala Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 15107

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15107

Ala Gln Leu Gly Ser Ala Leu Thr Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 15108

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15108

Ala Gln Gly Thr Thr Arg Ser Pro Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 15109

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15109

Ala Gln Gly His Ile Ser Ala Leu Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 15110

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15110

Ala Gln Ser Ile Ser Pro Pro Arg Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 15111

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15111

Ala Gln Phe Gln Gln Asp Thr Tyr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 15112

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15112

Ala Gln Leu Leu Ala Thr Gly Leu Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15113

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15113

Ala Gln Leu Lys Val Ala Ser Gly Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 15114

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15114

Ala Gln Phe Asp Asn Pro Asn Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 15115

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15115

Ala Gln Tyr Leu Thr Ser Gly Gly Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 15116

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15116

Ala Gln Arg Asp Thr Val Ser Arg Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 15117

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15117

Ala Gln Ile Asn Lys Asp Asn Asn Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 15118

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15118

Ala Gln Met Ala Asn Thr Arg Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 15119

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15119

Ala Gln Glu Ser Ile Gln Gln Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 15120

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15120

Ala Gln Leu Thr Arg Val Gly Thr Val Ala Gln

1 5 10

<210> 15121

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15121

Ala Gln Val Gln Val Ala Met Arg Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 15122

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15122

Ala Gln Thr Ala Ala His Val Ser Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 15123

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15123

Ala Gln Pro Ser His Ala Arg Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 15124

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15124

Ala Gln Asn Val Pro Thr Ser Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 15125

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15125

Ala Gln Lys Thr Gln Leu Gly Gln Met Ala Gln

1 5 10

<210> 15126

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15126

Ala Gln Lys Ala Asn Ser Gln Ile Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 15127

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15127

Ala Gln Asn Asn Ser Gly His Ile Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 15128

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15128

Ala Gln Phe Leu Leu Thr Ser Asp Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 15129

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15129

Ala Gln Val Lys Thr Asp Arg Val Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 15130

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15130

Ala Gln Val Ser Ile Ser Val Met Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 15131

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15131

Ala Gln Ala Gly Leu Ala His Ala Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 15132

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15132

Ala Gln Arg Thr Thr Ala Asn Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 15133

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15133

Ala Gln Ser Val Pro Pro Asn Arg Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 15134

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15134

Ala Gln His Ser Gly Pro Thr Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 15135

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15135

Ala Gln Lys Thr Asn Asn Thr Val Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 15136

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15136

Ala Gln Pro Ala Arg Ile Pro Gly Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 15137

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15137

Ala Gln Leu Ser Ala Gln Leu Pro Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 15138

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15138

Ala Gln Val Gly Ser Ser Asn Thr Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 15139

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15139

Ala Gln Leu Ile Ser Thr Thr His Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 15140

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15140

Ala Gln Tyr Val Asn Ser Ala Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15141

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15141

Ala Gln Asn Asn Asn Gln Lys Val Tyr Ala Gln

1 5 10

<210> 15142

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15142

Ala Gln Gly Thr Lys Thr His Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 15143

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15143

Ala Gln Pro Ile Ser Ala Asn Arg Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 15144

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15144

Ala Gln His Pro Ser Leu Arg Gln Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 15145

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15145

Ala Gln Pro Asn Arg Ala Ala Asn Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 15146

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15146

Ala Gln Pro Ser His Ala Arg Ala Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 15147

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15147

Ala Gln Tyr Thr Leu Ser Gln Gly Trp Ala Gln

1 5 10

<210> 15148

<211> 12

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15148

Ala Gln Gln Ser Val Ser Lys Pro Phe Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 15149

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15149

Ala Gln Phe Thr Leu Thr Thr Pro Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15150

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15150

Glu Ser Thr Leu Ala Val Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15151

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15151

Gly Gly Thr Leu Ala Val Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15152

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15152

Ala Gln Thr Leu Ala Thr Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15153

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15153

Ala Thr Thr Leu Ala Thr Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15154

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15154

Asp Gly Thr Leu Ala Thr Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15155

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15155

Gly Gly Thr Leu Ala Thr Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15156

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15156

Ser Gly Ser Leu Ala Val Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15157

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15157

Ala Gln Thr Leu Ala Gln Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15158

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15158

Ala Gln Thr Leu Ser Asn Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15159

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15159

Ala Gln Thr Leu Ser Gln Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15160

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15160

Glu Gly Thr Leu Ala Val Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15161

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15161

Asp Ser Thr Leu Ala Val Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15162

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15162

Asn Gln Thr Leu Ala Val Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15163

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15163

Ser Gly Asn Leu Ala Val Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15164

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15164

Ala Thr Thr Leu Ala Val Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15165

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15165

Ala Gln Thr Leu Thr Met Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15166

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15166

Ala Gln Thr Leu Ser Thr Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15167

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15167

Gln Gly Thr Leu Ala Val Pro Phe Lys Ala Gln

1 5 10

<210> 15168

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15168

Asp Gly Thr Leu Ala Val Pro Phe Ser Asn Pro

1 5 10

<210> 15169

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15169

Asp Gly Thr Leu Ala Val Pro Phe Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 15170

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15170

Ala Gln Asn Ser Arg Glu Val Asn Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 15171

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15171

Ala Gln Thr Arg Glu Val Asn Val Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 15172

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15172

Ala Gln Ile Gly Met Gly His Thr Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 15173

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15173

Ala Gln Thr Ala Glu Thr Lys Phe Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 15174

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15174

Ala Gln Lys Ala Thr Pro Pro Thr Glu Ala Gln

1 5 10

<210> 15175

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15175

Ala Gln Ala Glu Thr Ser Arg Ser Val Ala Gln

1 5 10

<210> 15176

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15176

Ala Gln Thr Asn Arg Thr Ile Gln Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 15177

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15177

Ala Gln Tyr Ala Leu Thr Asn Asp Arg Ala Gln

1 5 10

<210> 15178

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15178

Ala Gln Ser Val Thr Asn Lys Met Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 15179

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15179

Ala Gln Ser Val Gln Ile Val Arg Gly Ala Gln

1 5 10

<210> 15180

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15180

Ala Gln Tyr Pro Asn Thr Ser Gln Val Ala Gln

1 5 10

<210> 15181

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15181

Ala Gln Tyr Thr Leu Ser Gln Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 15182

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15182

Ala Gln Trp Gly Leu Asn Arg Gly Thr Ala Gln

1 5 10

<210> 15183

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15183

Ala Gln Thr Pro Lys Asn Val Pro Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 15184

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15184

Ala Gln Tyr Asp Pro Arg Gly Thr Asp Ala Gln

1 5 10

<210> 15185

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15185

Ala Gln Val Asp Thr Arg Pro Ile Gln Ala Gln

1 5 10

<210> 15186

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15186

Ala Gln Thr Lys Ser Ser Tyr Gly Val Ala Gln

1 5 10

<210> 15187

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15187

Ala Gln Met Asn Ser Thr Lys Asn Val Ala Gln

1 5 10

<210> 15188

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15188

Ala Gln Ser Leu His His Gly Ser Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 15189

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15189

Ala Gln Ser Ser Pro Gly Ala Met His Ala Gln

1 5 10

<210> 15190

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15190

Ala Gln Ser Ser Tyr Asn Asp His Pro Ala Gln

1 5 10

<210> 15191

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15191

Ala Gln Gly Ala Pro Arg Ser Ser Ile Ala Gln

1 5 10

<210> 15192

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15192

Ala Gln Gln Gly Ser Leu Tyr Thr Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 15193

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15193

Ala Gln His Asn Ala Pro Gly Ser Leu Ala Gln

1 5 10

<210> 15194

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15194

Ala Gln Ser Leu Ser Pro Thr Ile Asn Ala Gln

1 5 10

<210> 15195

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15195

Ala Gln Asn Asn Val Thr Leu Leu Ser Ala Gln

1 5 10

<210> 15196

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15196

Ala Gln Glu Asn Arg Val Lys Ser Ala Ala Gln

1 5 10

<210> 15197

<211> 11

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220><223> Synthetic Construct

<400> 15197

Ala Gln Ala Leu Asn Ser Val Gln Pro Ala Gln

1 5 10