

(19) 日本国特許庁 (JP)

(12) 公表特許公報 (A)

(11) 特許出願公表番号

特表2008-547006

(P2008-547006A)

(43) 公表日 平成20年12月25日 (2008. 12. 25)

(51) Int. Cl.	F I	テーマコード (参考)
G O 1 N 33/53 (2006. 01)	G O 1 N 33/53 D	2 G O 4 5
C 1 2 N 15/09 (2006. 01)	C 1 2 N 15/00 A	4 B O 2 4
C 1 2 Q 1/68 (2006. 01)	C 1 2 Q 1/68 A	4 B O 6 3
C 1 2 Q 1/02 (2006. 01)	C 1 2 Q 1/02	4 C O 8 4
A 6 1 K 45/00 (2006. 01)	A 6 1 K 45/00	4 H O 4 5
審査請求 未請求 予備審査請求 未請求 (全 51 頁) 最終頁に続く		

(21) 出願番号 特願2008-517179 (P2008-517179)
 (86) (22) 出願日 平成18年6月16日 (2006. 6. 16)
 (85) 翻訳文提出日 平成20年2月12日 (2008. 2. 12)
 (86) 国際出願番号 PCT/US2006/023619
 (87) 国際公開番号 W02006/138646
 (87) 国際公開日 平成18年12月28日 (2006. 12. 28)
 (31) 優先権主張番号 60/692, 040
 (32) 優先日 平成17年6月17日 (2005. 6. 17)
 (33) 優先権主張国 米国 (US)

(71) 出願人 504412945
 ザ ブライハム アンド ウイメンズ ホ
 スピタル, インコーポレイテッド
 アメリカ合衆国 マサチューセッツ O 2
 1 1 5 ボストン, フランシス ストリ
 ート 7 5
 (74) 代理人 100078282
 弁理士 山本 秀策
 (74) 代理人 100062409
 弁理士 安村 高明
 (74) 代理人 100113413
 弁理士 森下 夏樹

最終頁に続く

(54) 【発明の名称】 変形性関節症のタンパク質プロフィール

(57) 【要約】

本発明は、変形性関節症 (O A) に臨床的関連性をもつタンパク質発現プロフィールの同定および使用に関する。特に、本発明は、その発現が O A および O A 進行と相関するマーカータンパク質の本体を提供する。O A の研究および / または診断において、O A の進行の程度の決定において、ならびに処置養生法の選択および / またはモニタリングにおいてこれらのタンパク質発現プロフィールを用いるための方法およびキットが記載される。本発明はまた、これらタンパク質またはこれらタンパク質をコードする核酸分子の発現を調節する薬物のスクリーニング、特に疾患改変 O A 薬剤の開発に関する。

【特許請求の範囲】**【請求項 1】**

被験体における変形性関節症を診断するための方法であって：

該被験体から得られた生物学的サンプルを提供する工程；

該生物学的サンプルにおいて、図 1～図 7 に列挙されたタンパク質からなる群から選択される複数のポリペプチド、そのアナログおよびフラグメントの発現のレベルを決定する工程であって、試験タンパク質発現プロファイルを得る工程；

該試験タンパク質発現プロファイルを、コントロールタンパク質発現プロファイルと比較する工程であって、ここで、該試験タンパク質発現プロファイルと、該コントロールタンパク質発現プロファイルとの差異が、該被験体における変形性関節症の存在、不在またはステージの指標である工程；および

該比較に基き、該被験体に対する診断を提供する工程、を包含する、方法。

【請求項 2】

前記生物学的サンプルが、血液のサンプル、尿のサンプル、関節流体のサンプル、唾液のサンプルまたは滑液のサンプルである、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 3】

前記生物学的サンプルが、滑液のサンプルである、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 4】

前記被験体が、ヒトである、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 5】

前記被験体が、変形性関節症を有すると疑われる、請求項 4 に記載の方法。

【請求項 6】

前記決定する工程が、図 7 (A) 中に列挙されるタンパク質から選択される 1 つ以上のポリペプチドの発現のレベルを決定することを含み、そしてここで、前記試験タンパク質発現プロファイルと前記コントロールタンパク質発現プロファイルとの差異が、変形性関節症の存在の指標である、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 7】

前記決定する工程が、図 7 (B) 中に列挙されるタンパク質から選択される 1 つ以上のポリペプチドの発現のレベルを決定することを含み、そしてここで、前記試験タンパク質発現プロファイルと前記コントロールタンパク質発現プロファイルとの差異が、変形性関節症の存在の指標である、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 8】

前記変形性関節症のステージが、初期変形性関節症または末期変形性関節症である、請求項 7 に記載の方法。

【請求項 9】

前記コントロールタンパク質発現プロファイルが、正常タンパク質発現プロファイルである、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 10】

前記差異が、図 1 および図 2 に列挙されたタンパク質、そのアナログおよびフラグメントからなる群から選択される 1 つ以上のポリペプチドの発現のレベルにおける増加であり、そして該差異が、前記被験体における変形性関節症の存在の指標である、請求項 9 に記載の方法。

【請求項 11】

前記差異が、図 4 および図 5 に列挙されたタンパク質、そのアナログおよびフラグメントからなる群から選択される 1 つ以上のポリペプチドの発現のレベルにおける減少であり、そして該差異が、前記被験体における変形性関節症の存在の指標である、請求項 9 に記載の方法。

【請求項 12】

前記差異が、図 1 に列挙されたタンパク質、そのアナログおよびフラグメントからなる群から選択される 1 つ以上のポリペプチドの発現のレベルにおける増加であり、そして該差

10

20

30

40

50

異が、前記被験体における初期変形性関節症の存在の指標である、請求項 9 に記載の方法。

【請求項 13】

前記差異が、図 2 に列挙されたタンパク質、そのアナログおよびフラグメントからなる群から選択される 1 つ以上のポリペプチドの発現のレベルにおける増加であり、そして該差異が、前記被験体における末期変形性関節症の存在の指標である、請求項 9 に記載の方法。

【請求項 14】

前記差異が、図 4 に列挙されたタンパク質、そのアナログおよびフラグメントからなる群から選択される 1 つ以上のポリペプチドの発現のレベルにおける減少であり、そして該差異が、前記被験体における初期変形性関節症の存在の指標である、請求項 9 に記載の方法。

10

【請求項 15】

前記差異が、図 5 に列挙されたタンパク質、そのアナログおよびフラグメントからなる群から選択される 1 つ以上のポリペプチドの発現のレベルにおける減少であり、そして該差異が、前記被験体における後期変形性関節症の存在の指標である、請求項 9 に記載の方法。

【請求項 16】

前記コントロールタンパク質発現プロファイルが、初期 OA タンパク質発現プロファイルである、請求項 1 に記載の方法。

20

【請求項 17】

前記差異が、図 3 に列挙されたタンパク質、そのアナログおよびフラグメントからなる群から選択される 1 つ以上のポリペプチドの発現のレベルにおける増加であり、そして該差異が、前記被験体における後期変形性関節症の存在の指標である、請求項 16 に記載の方法。

【請求項 18】

前記差異が、図 6 に列挙されたタンパク質、そのアナログおよびフラグメントからなる群から選択される 1 つ以上のポリペプチドの発現のレベルにおける減少であり、そして該差異が、後期変形性関節症の存在の指標である、請求項 16 に記載の方法。

【請求項 19】

前記複数のポリペプチドの発現のレベルを決定する工程が、前記生物学的サンプルを、前記ポリペプチドの少なくとも 1 つに特異的な少なくとも 1 つの抗体に曝すことを包含する、請求項 1 に記載の方法。

30

【請求項 20】

図 1 ~ 図 7 に列挙されたタンパク質、そのアナログおよびフラグメントからなる群から選択されるポリペプチドをコードするポリヌクレオチド配列を含む、核酸分子。

【請求項 21】

請求項 20 に記載のポリヌクレオチド配列の全部または一部とハイブリダイズする、核酸分子。

【請求項 22】

被験体における変形性関節症を診断するための、請求項 20 または請求項 21 に記載の 1 つ以上の核酸分子の使用。

40

【請求項 23】

被験体における変形性関節症をステージ分けするための、請求項 20 または請求項 21 に記載の 1 つ以上の核酸分子の使用。

【請求項 24】

図 1 ~ 図 7 に提示されるタンパク質、そのアナログ、およびそのフラグメントからなる群から選択される複数のポリペプチドの発現レベル情報を含む、OA 発現プロファイルマップ。

【請求項 25】

50

前記 O A 発現プロフィールマップが、正常個体、変形性関節症をもつ個体、初期変形性関節症をもつ個体、または後期変形性関節症をもつ個体から得られる生物学的サンプルの発現レベル情報を含む、請求項 24 に記載の O A 発現プロフィールマップ。

【請求項 26】

前記生物学的サンプルが、血液のサンプル、尿のサンプル、関節流体のサンプル、唾液のサンプル、および滑液のサンプルからなる群から選択される、請求項 25 に記載の O A 発現プロフィールマップ。

【請求項 27】

前記生物学的サンプルが、滑液のサンプルである、請求項 25 に記載の O A 発現プロフィールマップ。

10

【請求項 28】

被験体における変形性関節症を診断および / またはステージ分けするためのキットであって、以下：

図 1 ~ 図 7 に提示されたタンパク質、そのアナログおよびフラグメントからなる群から選択されるポリペプチド、および

図 1 ~ 図 7 に提示されたタンパク質、そのアナログおよびフラグメントからなる群から選択されるポリペプチドをコードするポリヌクレオチド配列を含む核酸分子；からなる群から選択される少なくとも 1 つの生物マーカーの発現レベルを特異的に検出する少なくとも 1 つの試薬；ならびに

被験体において変形性関節症を診断およびステージ分けするために該キットを用いるための指示書、を備える、キット。

20

【請求項 29】

前記少なくとも 1 つの試薬が、少なくとも 1 つのポリペプチドに特異的に結合する抗体を含む、請求項 28 に記載のキット。

【請求項 30】

前記少なくとも 1 つの試薬が、少なくとも 1 つのポリペプチドをコードするポリヌクレオチド配列に相補的な核酸プローブを含む、請求項 28 に記載のキット。

【請求項 31】

前記核酸プローブが、cDNA またはオリゴヌクレオチドである、請求項 30 に記載のキット。

30

【請求項 32】

前記核酸プローブが、基質表面上に固定化される、請求項 31 に記載のキット。

【請求項 33】

前記指示書が、インビトロ診断製品における使用のための米国食品医薬品局によって要求される指示書を含む、請求項 28 に記載のキット。

【請求項 34】

抽出緩衝液 / 試薬およびプロトコール、増幅緩衝液 / 試薬およびプロトコール、ハイブリダイゼーション緩衝液 / 試薬およびプロトコール、免疫検出緩衝液 / 試薬およびプロトコール、および標識緩衝液 / 試薬およびプロトコールの 1 つ以上をさらに含む、請求項 28 に記載のキット。

40

【請求項 35】

少なくとも 1 つの請求項 25 に記載の O A 発現プロフィールマップをさらに含む、請求項 28 に記載のキット。

【請求項 36】

システム中の O A 生物マーカーの発現を調節する化合物を同定するための方法であって：

図 1 ~ 図 7 に列挙されたタンパク質、そのアナログおよびフラグメントからなる群から選択されるポリペプチド、および

図 1 ~ 図 7 に列挙されたタンパク質、そのアナログおよびフラグメントからなる群から選択されるポリペプチドをコードするポリヌクレオチド配列を含む核酸分子；からなる群から選択される生物マーカーの発現のレベルを、該システムを該候補化合物に曝す前後に

50

決定する工程；

該複数のレベルを比較する工程；および

該複数のレベルが異なる場合に、該 O A 生物マーカーの発現を調節する化合物として該候補化合物を同定する工程、を包含する、方法。

【請求項 37】

前記システムが、細胞、生物学的流体、生物学的組織、または動物である、請求項 36 に記載の方法。

【請求項 38】

前記候補化合物が：変形性関節症における減少した発現によって特徴付けられる生物マーカーの発現を増大する、変形性関節症における増加した発現によって特徴付けられる生物マーカーの発現を減少する、初期変形性関節症における減少した発現によって特徴付けられる生物マーカーの発現を増大する、初期変形性関節症における減少した発現によって特徴付けられる生物マーカーの発現を減少する、後期変形性関節症における減少した発現によって特徴付けられる生物マーカーの発現を増大する、および後期変形性関節症における増加した発現によって特徴付けられる生物マーカーの発現を減少することの 1 以上を実施する、請求項 37 に記載の方法。

10

【請求項 39】

請求項 38 に記載の方法によって同定される、O A 治療薬。

【請求項 40】

請求項 38 に記載の方法によって識別される O A 治療薬の少なくとも 1 つの有効量、および薬学的に受容可能なキャリアを含む、薬学的組成物。

20

【請求項 41】

被験体における変形性関節症を処置する方法であって、該被験体に、請求項 38 に記載の O A 治療薬の少なくとも 1 つの有効量を投与する工程を包含する、方法。

【発明の詳細な説明】

【技術分野】

【0001】

（関連出願）

本発明は、2005 年 6 月 17 日に出願され、そして「変形性関節症のタンパク質プロフィール」と題する仮出願番号第 60 / 692 , 040 号の優先権を主張している。この仮出願は、その全体が参考として本明細書中に援用される。

30

【背景技術】

【0002】

（発明の背景）

筋骨格疾患は、世界中で数百万人の人々に影響し、そしてこの形態は、2020 年までには 50 を超える母集団の予測される倍化に起因して迅速に増加することが予想されている（非特許文献 1）。筋骨格疾患は、莫大な健康管理支出および経済的生産性の損失を生じ、そしてそれ故、社会に対して巨大な影響力を有する。米国単独で、筋骨格疾患は、1995 年には、2140 億ドルの費用を有すると推定された（非特許文献 2）。この千年紀の初期には、米国は、2000 ~ 2010 年は、平均余命が増加するとき、世界の健康に対して有し得る、増加する影響力の整形外科疾患を強調し、そしてこれら疾患の理解を進め、そして改良され、費用効果的な処置を開発する目的とともに研究努力を促進することを試みる「骨および関節の 10 年間」を宣言した（<http://www.boneandjointdecade.org>）。多くのタイプの筋骨格疾患が存在するが、変形性関節症は、世界中で医師によって遭遇される最も共通した慢性の筋骨格疾患障害の 1 つである。

40

【0003】

変形性関節症（O A）は、関節軟骨の崩壊によって特徴付けられる非炎症性の関節疾患である。それは、指、首、肩、尻、膝、下部脊椎領域、および脚を含む、身体中の 1 つ以上の関節に影響し得る。O A は、痛みを引き起こし得、そして可動性および下肢を重篤に

50

損傷し得（非特許文献 3；非特許文献 4；非特許文献 5；非特許文献 6）、これらは、独立を維持する無能力および困難性に至り得る（非特許文献 7；非特許文献 8；非特許文献 9）。OA は加齢にともない：X 線撮影法による変形性関節症の離間率は、30 歳以下の人々では 1% より少ないが、年齢とともに増加し、罹患率は急激に上昇し、そして 65 を超える個体では約 80% であることが見出された（非特許文献 10；非特許文献 11；非特許文献 12）。停年後の集団に最も問題を引き起こす症状であるにもかかわらず、OA はまた、米国およびヨーロッパにおける失業の最も高い原因であると見積もられている。年齢に加え、OA と関連することが知られるリスク因子は、肥満、外傷損傷およびスポーツまたは職業ストレスに起因する酷使を含む。しかし、変形性関節症の正確な病因はなお未知である。

10

【0004】

目下のところ、OA の診断は、代表的には、放射線学検査、および局所的柔軟性、使用関連の痛み、骨または軟組織膨潤、関節不安定性、制限された関節機能、筋肉痙攣、および関節摩擦音（すなわち、裂け目または削合感覚）を含む臨床観察を基く。OA の診断は、しばしば、医師の検査で示唆されるが、放射線学評価が、この疾患の診断を確認するか、またはこの疾患の重篤度を評価するために用いられる。OA の放射線学的な顕著な特徴は、不均質な関節スペース損失、骨棘形成、嚢形成、および肋軟骨下硬化症を含む。これらの特徴的な特徴は、「重篤」または「後期」OA の X 線像に一般に存在するが、「初期」OA をもつ患者は、骨変化、関節スペース狭窄および / または骨棘の放射線学的証拠を示さないかも知れず、この診断を不明瞭また確立することを困難にする。信頼性のある診断の不在下で、医師は、この疾患の経過の初期、すなわち、関節破壊の徴候が生じる前に介入することができない。磁気共鳴（MRI）は、特に、膝のような大関節で、関節軟骨形態および組成の輪郭を描くために有用であり、そして放射線学では見えない軟骨欠損および関節の薄くなった領域を示し得る（非特許文献 13；非特許文献 14；非特許文献 15）。しかし、この画像形成技法は、半月板裂け、または靱帯損傷のようなその他の損傷が診断目的のために除かれる必要がないのであれば、患者に対しては慣用的に実施されない。

20

【0005】

目下のところ、OA に対する治癒はなく、そして変形性関節症治療は、痛みの軽減、ならびに関節機能の改善および維持を取り扱う。さらに、最近の COX-2 インヒビターの使用中止の意味で、医師は、OA の治療の彼らの選択がなお制限されている。OA に対する疾患改善薬物の需要が、この流行し、かつ衰弱させる障害の根深い社会的および経済的影響の認識が広く広がったので、相当に増加した。しかし、このような薬物の臨床試験は、単純な X 線を用いて観察された関節スペースにおける変化の評価に依存している（非特許文献 16）。関節軟骨損失によって引き起こされる変化は小さいので（1 ~ 2 mm / 年）、検出可能な十分な変化が起こる前、そしてそれ故、薬物の効き目が評価され得る前に、最小限 1 年が必要である。

30

【非特許文献 1】The Global Burden of Disease. A Comprehensive Assessment of Mortality and Disability from Diseases, Injuries, and Risk Factors in 1990 and Projected to 2020、C. J. L. Murray および A. D. Lopez（編）、1996、Harvard University Press: Cambridge, MA

40

【非特許文献 2】A. Praemer ら、Musculoskeletal Conditions in the United States、第 2 版、1999、American Academy of Orthopaedic Surgeons: Rosemont, IL

【非特許文献 3】E. Bagga ら、Age Ageing、1992、21

【非特許文献 4】D. Hamerman、Ann. Rheum. Dis.、1995、5

- 【非特許文献 5】J. Jordanら、J. Rheumatol.、1997、24
- 【非特許文献 6】S. M. LingおよびJ. M. Bathon、J. Am. Geriatr. Soc. 1998、46:216~225.
- 【非特許文献 7】A. A. Guccioneら、Am. J. Public Health、1994、84:351~358
- 【非特許文献 8】M. A. Gignacら、J. Gerontol. B: Psychol. Sci. Soc. Sci. 2000、55:362~372
- 【非特許文献 9】M. C. CortiおよびC. Rignnon、Aging Clin. Exp. Res.、2003、15:359~363
- 【非特許文献 10】R. C. Lawrenceら、J. Rheumatol.、1989 10
、16:427~441
- 【非特許文献 11】E. BaggeおよびP. Brooks、Drug Aging、1995、7:176~183
- 【非特許文献 12】N. J. ManekおよびN. E. Lane、Am. Fam. Physician.、2000、61:1795~1804
- 【非特許文献 13】K. OttおよびJ. Montes-Lucero、Radiol. Technol.、2002、74:25~42
- 【非特許文献 14】F. EcksteinおよびC. Glaser、Semin. Musculoskelet. Radiol.、2004、8:329~353
- 【非特許文献 15】G. A. Tung、Med. Health R. I.、2004、8 20
7:172~175
- 【非特許文献 16】S. A. Mazzucaら、Osteoarthritis and Cartilage、1997、5:217~226

【発明の開示】

【発明が解決しようとする課題】

【0006】

明らかに、OAおよびOA進行の生物学的マーカーに対する大きな必要性が存在する。特に、この疾患の初期ステージで信頼性ある診断およびモニタリングを可能にし得、そして痛みおよび長期間の無能力化を潜在的に防ぐための初期の介入を許容する生物マーカー（バイオマーカー）が高度に所望される。また必要なのは、目下、放射線学的な変化の評価のために必要とされる1年より有意に短い時間フレームで、疾患改変OA薬物の効き目を評価し得る生物マーカーおよび設計アッセイシステムである。 30

【課題を解決するための手段】

【0007】

（発明の要旨）

本発明は、変形性関節症に臨床的関連性をもつタンパク質発現プロファイルの使用に関する。特に、本発明は、タンパク質の本体を提供し、その発現が、OAと、およびこの疾患の進行の異なる相と相関付けられる。これらのタンパク質の発現プロファイルは、OAの診断およびステージ分けに適用され得る。診断の現存する方法と比較して、本明細書中に開示されるタンパク質プロファイルは、OAおよびOA進行のより確固とした特徴を構成し、そして適切な治療養生法の選択のためのより信頼性ある基礎を提供する。本発明はまた、これらの生物マーカーを標的にする薬物、特に、OAの処置のための新たな治療薬の開発のためのスクリーニングに関する。 40

【0008】

一般に、本発明は、図1~7に列挙されるマーカータンパク質の発現プロファイルの使用を含む。

【0009】

より詳細には、1つの局面では、本発明は、被験体における変形性関節症を診断するための方法を提供し、この方法は、この被験体から得られた生物学的サンプルを提供する工程；この生物学的サンプルにおいて、図1~図7に列挙されたタンパク質からなる群から 50

選択される複数のポリペプチド、そのアナログおよびフラグメントの発現のレベルを決定する工程であって、試験タンパク質発現プロファイルを得る工程；この試験タンパク質発現プロファイルを、コントロールタンパク質発現プロファイルと比較する工程であって、ここで、上記試験タンパク質発現プロファイルと、上記コントロールタンパク質発現プロファイルとの差異が、上記被験体における変形性関節症の存在、不在またはステージの指標である工程；およびこの比較に基き、上記被験体に対する診断を提供する工程を包含する。

【 0 0 1 0 】

上記生物学的サンプルは、血液または血液産物のサンプル、尿のサンプル、関節流体のサンプル、唾液のサンプルまたは滑液のサンプルであり得る。特定の好ましい実施形態では、上記生物学的サンプルは、滑液のサンプルである。本発明による複数のポリペプチドの発現のレベルの決定は、上記生物学的サンプルを、上記ポリペプチドの少なくとも1つに特異的な少なくとも1つの抗体に曝す工程を包含し得る。

10

【 0 0 1 1 】

特定の実施形態では、上記被験体は、ヒト、例えば、変形性関節症を有すると疑われる患者である。

【 0 0 1 2 】

特定の実施形態では、図7(A)中に列挙されたタンパク質、そのアナログおよびフラグメントから選択される1つ以上のポリペプチドの発現のレベルが測定され、そして上記試験タンパク質発現レベルと上記コントロールタンパク質発現プロファイルとの差異が、上記被験体における変形性関節症の存在の指標である。

20

【 0 0 1 3 】

その他の実施形態では、図7(B)中に列挙されたタンパク質、そのアナログおよびフラグメントから選択される1つ以上のポリペプチドの発現のレベルが測定され、そして上記試験タンパク質発現プロファイルと上記コントロールタンパク質発現プロファイルとの差異が、変形性関節症のステージの指標である。このステージは、初期変形性関節症または後期変形性関節症であり得る。

【 0 0 1 4 】

特定の実施形態では、本発明の診断方法で用いられるコントロールタンパク質発現プロファイルは、正常タンパク質発現プロファイルである。これらの方法では、図1および図2に列挙されたタンパク質からなる群から選択される1つ以上のポリペプチドの発現のレベルにおける増加が、被験体における変形性関節症の存在の指標である。図4および図5に列挙されたタンパク質からなる群から選択される1つ以上のポリペプチドの発現のレベルにおける減少は、被験体における変形性関節症の存在の指標である。図1に列挙されたタンパク質からなる群から選択される1つ以上のポリペプチドの発現のレベルにおける増加は、被験体における初期変形性関節症の指標である。図2に列挙されたタンパク質からなる群から選択される1つ以上のポリペプチドの発現のレベルにおける増加は、被験体における末期変形性関節症の指標である。図4に列挙されたタンパク質からなる群から選択される1つ以上のポリペプチドの発現のレベルにおける減少は、被験体における初期変形性関節症の指標である。図5に列挙されたタンパク質からなる群から選択される1つ以上のポリペプチドの発現のレベルにおける減少は、被験体における後期変形性関節症の指標である。

30

40

【 0 0 1 5 】

その他の実施形態では、本発明の診断方法で用いられるコントロールタンパク質発現プロファイルは、初期OAタンパク質発現プロファイルである。これらの方法では、図3に列挙されたタンパク質からなる群から選択される1つ以上のポリペプチドの発現のレベルにおける増加が、被験体における後期変形性関節症の指標であり；そして図7に列挙されたタンパク質からなる群から選択される1つ以上のポリペプチドの発現のレベルにおける減少が、後期変形性関節症の指標である。

【 0 0 1 6 】

50

別の局面では、本発明は、図 1 ~ 図 7 に列挙されたタンパク質、そのアナログおよびフラグメントからなる群から選択されるポリペプチドをコードするポリヌクレオチド配列を含む核酸分子、およびこれらのポリヌクレオチド配列の全部または一部とハイブリダイズする核酸分子を提供する。また提供されるのは、被験体における変形性関節症を診断および / またはステージ分けするためのこれら核酸分子の使用である。

【 0 0 1 7 】

別の局面では、本発明は、図 1 ~ 図 7 に提示されるタンパク質、そのアナログ、およびそのフラグメントからなる群から選択される複数のポリペプチドの発現レベル情報を含む O A 発現プロファイルマップを提供する。この O A 発現プロファイルマップは、正常個体、変形性関節症をもつ個体、初期変形性関節症をもつ個体、または後期変形性関節症をもつ個体から得られる生物学的サンプルの発現レベル情報を含み得る。この生物学的サンプルは、血液または血液のサンプル、尿のサンプル、関節流体のサンプル、唾液のサンプル、および滑液のサンプルであり得る。

10

【 0 0 1 8 】

なお別の局面では、被験体における変形性関節症を診断およびステージ分けするためのキットを提供する。本発明のキットは、図 1 ~ 図 7 に提示されたタンパク質、そのアナログおよびフラグメントからなる群から選択されるポリペプチド、および図 1 ~ 図 7 に提示されたタンパク質、そのアナログおよびフラグメントからなる群から選択されるポリペプチドをコードするポリヌクレオチド配列を含む核酸分子；からなる群から選択される少なくとも 1 つの生物マーカーの発現レベルを特異的に検出する少なくとも 1 つの試薬；なら

20

【 0 0 1 9 】

特定の実施形態において、上記少なくとも 1 つの試薬は、上記ポリペプチドの少なくとも 1 つに特異的に結合する抗体を含む。その他の実施形態では、上記少なくとも 1 つの試薬は、上記少なくとも 1 つのポリペプチドをコードするポリヌクレオチド配列に相補的な核酸プローブを含む。例えば、上記核酸プローブは、c D N A またはオリゴヌクレオチドであり、そして基質表面上に固定化され得る。

【 0 0 2 0 】

上記キットは、インビトロ診断製品における使用のための米国食品医薬品局によって要求される指示書；以下の 1 つ以上：抽出緩衝液 / 試薬およびプロトコール、増幅緩衝液 / 試薬およびプロトコール、ハイブリダイゼーション緩衝液 / 試薬およびプロトコール、免疫検出緩衝液 / 試薬およびプロトコール、および標識緩衝液 / 試薬およびプロトコール、および / または上記に記載のような少なくとも 1 つの O A 発現プロファイルマップをさらに含み得る。

30

【 0 0 2 1 】

なお別の局面では、本発明は、システム中の O A 生物マーカーの発現を調節する化合物を同定するための方法を提供する。本発明の方法は：図 1 ~ 図 7 に列挙されたタンパク質、そのアナログおよびフラグメントからなる群から選択されるポリペプチド、および図 1 ~ 図 7 に列挙されたタンパク質、そのアナログおよびフラグメントからなる群から選択されるポリペプチドをコードするポリヌクレオチド配列を含む核酸分子；からなる群から選択される生物マーカーの発現のレベルを、該システムを上記候補化合物に曝す前後に決定する工程；およびこれらのレベルが異なる場合に、上記 O A 生物マーカーの発現を調節する化合物としてこの候補化合物を同定する工程を包含する。

40

【 0 0 2 2 】

これらの方法で用いられるシステムは、細胞、生物学的流体、生物学的組織、または動物であり得る。

【 0 0 2 3 】

候補化合物は、変形性関節症における減少した発現によって特徴付けられる生物マーカーの発現を増大し得；変形性関節症における増加した発現によって特徴付けられる生物マ

50

ーカーの発現を減少し得；初期変形性関節症における減少した発現によって特徴付けられる生物マーカーの発現を増大し得；初期変形性関節症における減少した発現によって特徴付けられる生物マーカーの発現を減少し得；後期変形性関節症における減少した発現によって特徴付けられる生物マーカーの発現を増大し得；および／または後期変形性関節症における増加した発現によって特徴付けられる生物マーカーの発現を減少し得る O A 生物マーカーの発現を調節する化合物として同定される。

【0024】

本発明は、本発明のスクリーニング方法によって同定される O A 治療薬、これらの O A 治療薬を含む薬学的組成物、およびこれら O A 治療薬の少なくとも 1 つの有効量を患者に投与することにより患者中の変形性関節症を処置する方法をさらに提供する。

10

【発明を実施するための最良の形態】

【0025】

(定義)

明細書全体を通じて、以下の段落で規定されるいくつかの用語が採用される。

【0026】

用語「被験体」、「個体」および「患者」は、本明細書では交換可能に用いられる。それらは、変形性関節症を罹患し得るヒトまたは別の哺乳動物（例えば、霊長類、イヌ、ネコ、ヤギ、ウマ、ブタ、マウス、ラット、ウサギなど）をいうが、この疾患を有していても良いし、有さなくてもよい。多くの実施形態では、この被験体はヒトである。

20

【0027】

用語「O A を有すると疑われる被験体」は、1 つ以上の O A の徴候指標（例えば、関節の痛み、局在化した柔軟性、骨または軟組織膨潤、関節不安定性、関節摩擦音）を提示するか、または（例えば、慣用の身体検査の間に）O A についてスクリーニングされる被験体をいう。O A を有すると疑われる被験体はまた、1 つ以上のリスク因子（例えば、年齢、肥満、外傷損傷、スポーツに起因する酷使または職業的ストレス、家族歴）を有し得る。この用語は、O A について試験されていない個体、および（例えば、放射線学的検査に基づく）初期診断を受けたが、O A のステージが知られていない個体を包含する。

【0028】

用語「変形性関節症ステージ」および「変形性関節症フェーズ」は、本明細書では交換可能に用いられ、そして疾患の進行または経過の程度をいう。本発明は、この疾患のステージを決定するための手段を提供する。特に、本明細書で提供される方法は、「温和」または「初期」O A の、および「重篤」または「末期」O A の検出を可能にする。当該技術分野で公知のその他のステージ分けシステムは、例えば、Marshall によって開発されたものを含む（W. Marshall, J. Rheumatol., 1996, 23: 582 ~ 584）。

30

【0029】

本明細書で用いられるとき、用語「診断」は、個体が疾患または病気に罹患しているかどうかを決定することを狙うプロセスをいう。本発明の文脈では、「O A の診断」は、以下の 1 つ以上を狙うプロセスをいう：個体が O A に罹患しているかどうかを決定すること、およびこの疾患のステージを決定すること（例えば、初期 O A または末期 O A ）。

40

【0030】

用語「生物学的サンプル」は、本明細書では、その最も広い意味で用いられる。生物学的サンプルは、被験体（例えば、ヒト）から、または被験体の構成要素（例えば、組織）から得られ得る。このサンプルは、これとともに本発明の生物マーカーがアッセイされ得る任意の生物学的組織または流体からであり得る。頻繁に、このサンプルは、「臨床サンプル」、すなわち、患者に由来するサンプルである。このようなサンプルは、制限されないで、細胞を含んでも良いし、含まなくても良い体液、例えば、血液、尿、滑液、唾液、および関節流体；骨または軟骨からのような組織または微細ニードル生検サンプル；および既知の診断、処置および／または結果歴をもつ保管サンプルを含み得る。生物学的サンプルはまた、組織学的目的からとられた凍結サンプルのような組織の切片を含み得る。こ

50

の用語、生物学的サンプルはまた、この生物学的サンプルを処理することにより派生する任意の材料を包含する。派生する材料は、制限されないで、このサンプルが単離される細胞（またはそれらの子孫）、このサンプルから抽出されるタンパク質または核酸分子を含む。この生物学的サンプルの処理は：濾過、蒸留、抽出、濃縮、妨害成分の不活性化、試薬の添加などを1つ以上を含み得る。

【0031】

用語「正常」および「健常」は、本明細書では交換可能に用いられる。それらは、関節の痛みを含む任意のOA症状を示さず、そして軟骨損傷またはOAと診断されていない個体または個体の群をいう。好ましくは、この正常個体（または個体の群）は、OAに影響する薬物適用はなく、そして任意のその他の疾患と診断されていない。より好ましくは、正常個体は、試験されるべきサンプルが得られた個体と比較して、同様の性、年齢、身体高指数を有する。用語「正常」はまた、健常個体から単離されたサンプルを適任とするために用いられる。

10

【0032】

本発明の文脈では、用語「コントロールサンプル」は、正常（すなわち、健常）である個体または個体の群から単離された1つ以上の生物学的サンプルをいう。コントロールサンプルはまた、OAの特定ステージ（例えば、初期OAまたは後期OA）と診断された患者または患者の群から単離された生物学的サンプルをいう。用語「コントロールサンプル」（または「コントロール」）はまた、正常と分類された1つ以上の個体、またはOAもしくはOAの特定ステージと診断された1つ以上の個体、またはOAの処置を受けていた1つ以上の個体のサンプル由来のデータの編集物をいい得る。

20

【0033】

用語「OA生物マーカー」および「生物マーカー」は、本明細書では交換可能に用いられる。それらは、本発明によって提供され、そしてその発現プロファイルが、OAおよび/またはOAの特定ステージの指標であることが見出されたタンパク質のセットから選択されるタンパク質をいう。用語「生物マーカー」はまた、本発明のマーカータンパク質をコードするヌクレオチド配列を含む核酸分子、およびこれらの核酸分子の一部とハイブリダイズするポリヌクレオチドを包含する。

【0034】

本明細書で用いられるとき、用語「OAの指標」は、生物マーカーに用いられるとき、OAまたはOAのステージの特徴である発現パターンまたはプロファイルをいい、この発現パターンは、この疾患またはこの疾患の別のステージのない患者におけるより、（最小95%の信頼性レベルを設定する慣用の統計学的方法を用いて決定されるとき）この疾患またはこの疾患の1つのステージにある患者で有意によりしばしば見出される。好ましくは、OAの指標である発現パターンは、この疾患を有する患者の少なくとも60%で見出され、そしてこの疾患を有さない被験体の10%未満で見出される。より好ましくは、OAの指標である発現パターンは、この疾患を有する患者の少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%、少なくとも95%またはそれ以上で見出され、そしてこの疾患を有さない被験体の10%未満、8%未満、5%未満、2.5%未満、または1%未満で見出される。

30

40

【0035】

本明細書で用いられるとき、用語「鑑別的に発現される生物マーカー」は、その発現レベルが、被験体（または被験体の集団）において、健常もしくは正常被験体（または健常もしくは正常被験体）におけるその発現レベルに対して異なる生物マーカーをいう。この用語はまた、その発現レベルがこの疾患の異なるステージ（例えば、温和もしくは初期OA、重篤もしくは末期OA）で異なる生物マーカーを包含する。異なる発現は、この生物マーカーの一時的または細胞発現パターンにおける、定量的、および定性的差異を含む。以下により詳細に記載されるように、鑑別的に発現される生物マーカーは、単独またはその他の鑑別的に発現される生物マーカーとの組み合わせは、診断、ステージ分け、治療、薬物開発および関連領域における種々の異なる適用で有用である。本明細書中に開示され

50

るこれら鑑別的に発現される生物マーカーの発現パターンは、O AおよびO A進行のフィンガープリントまたは特徴として記載され得る。それらは、未知サンプルおよびそれらについてさらなる情報が求められるサンプルを比較し、そして特徴付けるための参照の点として用いられ得る。本明細書で用いられるとき、用語「発現の減少したレベル」は、本明細書中に記載される1つ以上の方法によって測定されるとき、発現における少なくとも10%以上、例えば、20%、30%、40%、または50%、60%、70%、80%、90%またはそれ以上の、あるいは発現における1倍、2倍、3倍、4倍、5倍、10倍、50倍、100倍またはそれ以上の減少をいう。本明細書で用いられるとき、用語「発現の増加したレベル」は、本明細書中に記載される1つ以上の方法によって測定されるとき、発現における少なくとも10%以上、例えば、20%、30%、40%、または50%、60%、70%、80%、90%またはそれ以上の、あるいは発現における1倍、2倍、3倍、4倍、5倍、10倍、50倍、100倍またはそれ以上の増加をいう。

10

20

30

40

50

【0036】

用語「タンパク質」、「ポリペプチド」、および「ペプチド」は、本明細書では交換可能に用いられ、そしてそれらの自然の（未変化）形態にあるか、または塩のとしてのいずれか、および非改変またはグリコシル化、側鎖酸化、もしくはリン酸化による改変されたいずれかである種々の長さのアミノ酸配列をいう。特定の実施形態では、このアミノ酸配列は、完全長のネイティブタンパク質である。その他の実施形態では、このアミノ酸配列は、この完全長タンパク質のより小さいフラグメントである。なおその他の実施形態では、このアミノ酸配列は、グリコシル単位、脂質、またはリン酸イオンのような無機イオンのような、アミノ酸側鎖に付着されるさらなる置換基、およびスルフヒドリル基の酸化のような、これら鎖の化学的変換に関する改変によって改変される。従って、用語「タンパク質」またはその相当する用語は、その特異的性質を変化しないような改変を受ける、完全長ネイティブタンパク質のアミノ酸配列を含むことが意図される。特に、用語「タンパク質」は、タンパク質のイソ形態、すなわち、同じ遺伝子によってコードされるが、それらのpIもしくはMW、またはその両方が異なる改変体を包含する。このようなイソ形態は、それらのアミノ酸配列が異なり得るか（例えば、代替スプライシングまたは制限的タンパク質分解の結果として）、または、それに代わって、差別的翻訳後改変から生じ得る（例えば、グリコシル化、アシル化、リン酸化）。

【0037】

用語「タンパク質アナログ」は、本明細書で用いられるとき、完全長のネイティブタンパク質と類似または同一の機能を所有するが、このタンパク質のアミノ酸配列に類似または同一であるアミノ酸配列を必ずしも含む必要のないか、あるいはこのタンパク質の構造と類似または同一である構造を所有するポリペプチドをいう。好ましくは、本発明の文脈では、タンパク質アナログは、完全長のネイティブタンパク質のアミノ酸配列に少なくとも30%（より好ましくは、少なくとも35%、少なくとも40%、少なくとも45%、少なくとも50%、少なくとも55%、少なくとも60%、少なくとも65%、少なくとも70%、少なくとも75%、少なくとも80%、少なくとも85%、少なくとも90%、少なくとも95%、または少なくとも99%）同一であるアミノ酸配列を有する。

【0038】

用語「タンパク質フラグメント」は、本明細書で用いられるとき、第2のポリペプチドのアミノ酸配列の少なくとも5つのアミノ酸残基（好ましくは、少なくとも10のアミノ酸残基、少なくとも15のアミノ酸残基、少なくとも20のアミノ酸残基、少なくとも25のアミノ酸残基、少なくとも40のアミノ酸残基、少なくとも50のアミノ酸残基、少なくとも60のアミノ酸残基、少なくとも70のアミノ酸残基、少なくとも80のアミノ酸残基、少なくとも90のアミノ酸残基、少なくとも100のアミノ酸残基、少なくとも125のアミノ酸残基、少なくとも150のアミノ酸残基、少なくとも175のアミノ酸残基、少なくとも200のアミノ酸残基、または少なくとも250のアミノ酸残基）のアミノ酸配列を含むポリペプチドをいう。マーカータンパク質のフラグメントは、完全長のネイティブタンパク質の機能的活性を所有していても良いし、していなくても良い。

【 0 0 3 9 】

用語「核酸分子」および「ポリヌクレオチド」は、本明細書では交換可能に用いられる。それらは、一本鎖または二本鎖形態のいずれかにあるデオキシリボヌクレオチドまたはリボヌクレオチドポリマーをいい、そしてその他であることが陳述されていなければ、天然に存在するヌクレオチドと類似の様式で機能し得る天然のヌクレオチドの既知のアナログを包含する。これらの用語は、合成のバックボーンをもつ核酸様構造、および増幅産物を包含する。

【 0 0 4 0 】

本明細書で用いられるとき、用語「発現レベルを特異的に検出する試薬」は、1つ以上の生物マーカー（例えば、本明細書中で提供されるマーカータンパク質、マーカータンパク質をコードするポリヌレオチド配列を含む核酸分子、またはこの核酸分子の少なくとも一部分とハイブリダイズするポリヌクレオチド）の発現レベルを検出するために用いられる1つ以上の試薬をいう。適切な試薬の例は、制限されずに、目的のマーカータンパク質に特異的に結合し得る抗体、目的のポリヌクレオチド配列に特異的にハイブリダイズし得る核酸プローブ、または目的のポリヌクレオチド配列を特異的に増幅し得るPCRプライマーを含む。用語「増幅する」は、本明細書では、広い意味で用いられ、増幅産物を創生/生成ことを意味する。「増幅」は、本明細書で用いられるとき、一般に、所望の配列、特にサンプルの配列の複数のコピーを生成するプロセスをいう。「コピー」は、テンプレート配列に完全に相補的な配列または同一であることを必ずしも意味しない。

【 0 0 4 1 】

用語「ハイブリダイズ」は、相補的塩基対合を経由する2つの一本鎖核酸の結合をいう。用語「特異的なハイブリダイゼーション」は、核酸分子が、特定の核酸配列に、ストリンジェントな条件（例えば、ハイブリダイズする鎖により低い程度の相補性をもつ競合者核酸の存在下）下で優先的に結合、二本鎖になる、またはハイブリダイズするプロセスをいう。本発明の特定の実施形態では、これらの用語は、試験サンプルからの核酸フラグメント（またはセグメント）が、特定のプローブに、例えば、これらプローブがアレイ上に固定化されるとき優先的に結合し、そしてその他のプローブにはより低い程度で結合するか、または全く結合しないプロセスをより詳細にいう。

【 0 0 4 2 】

用語「アレイ」、「マイクロアレイ」、および「バイオチップ」は、本明細書では交換可能に用いられる。それらは、好ましくは、既知の配列の複数の核酸分子であるハイブリダイズ可能なアレイ要素の、基板表面上の配列をいう。各核酸分子は、基板表面上の別個のスポット（すなわち、規定された場所または割り当てられた位置）に固定化される。用語

「マイクロアレイ」は、視覚評価のために顕微鏡検査を必要とするようにミニチュア化されるアレイをより特定していう。

【 0 0 4 3 】

用語「プローブ」は、本明細書で用いられるとき、既知の配列の核酸分子をいい、これは、短いDNA配列（すなわち、オリゴヌクレオチド）、PCR産物、またはmRNA単離物であり得る。プローブは、試験サンプルからの核酸フラグメントがハイブリダイズする特異的DNA配列である。プローブは、通常は水素結合形成による、1つ以上のタイプの化学的結合を通じて相補的または実質的に相補的な配列の核酸に特異的に結合する。

【 0 0 4 4 】

用語「標識され」、「検出可能な物質で標識」および「検出可能な成分で標識」は、本明細書では交換可能に用いられる。これらの用語は、例えば、ある実体（例えば、プローブ）が、その他の実体（例えば、ポリヌクレオチドまたはポリペプチド）への結合後に可視化され得ることを特定するために用いられる。好ましくは、この検出可能な物質または成分は、それが測定され得、そしてその強度が結合した実体の量に関連する信号を生成するように選択される。アレイを基礎にした方法では、この検出可能な物質または成分はまた、好ましくは、それが局在化した信号を生成し、それによって、アレイ上の各スポット

からの信号の空間的解像を可能にするように選択される。ポリペプチドまたはポリヌクレオチドを標識する方法は、当該技術分野で周知である。標識されたポリペプチドまたはポリヌクレオチドは、分光光度的に、光化学的に、生化学的に、免疫化学的に、電氣的に、光学的に、または化学的手段によって直接的または間接的に検出可能である標識の取り込み、またはそれとの複合体化によって調製され得る。適切な検出可能な物質は、制限されないで、種々のリガンド、放射線核種、蛍光色素、化学発光物質、マイクロパーティクル、酵素、比色標識、磁性標識、およびハプテンを含む。検出可能な成分はまた、分子ビーコンおよびアプタマービーコンのような生物学的分子であり得る。

【0045】

用語「OA発現プロフィールマップ」は、OAの特定ステージ（例えば、疾患の不在、OA、初期OAおよび末期OA）における生物マーカーのセットの発現レベルの表示をいう。このマップは、グラフ表示（例えば、紙またはコンピュータスクリーン上）、物理的表示（例えば、ゲルまたはアレイ）、またはコンピュータ読み出し可能な媒体中に記録されるデジタル表示として提示され得る。各マップは、この疾患の特定の状況に対応し（例えば、疾患の不在、OA、初期OAおよび末期OA）、そしてそれ故、患者サンプルに対する比較のためのテンプレートを提供する。特定の好ましい実施形態では、マップは、有意な数の正常個体、またはOAの同じステージの個体から得た複数のサンプルから生成される。マップは、一致した年齢、性および身体質量指数（body mass index）をもつ個体について確立され得る。

10

【0046】

用語「コンピュータ読み出し可能媒体」は、コンピュータプロセッサに情報（例えば、データおよび指令）を記録または提供するための任意のデバイスまたはシステムをいう。コンピュータ読み出し可能媒体の例は、制限されないで、ネットワーク上に媒体をストリーミングするための、DVD、CD、ハードディスクドライバ、磁気テープおよびサーバーを含む。

20

【0047】

用語「化合物」および「物質」は、本明細書では交換可能に用いられる。それらは、生物学的高分子（例えば、核酸、ポリペプチドまたはタンパク質）、有機または無機分子、または細菌、植物、真菌、もしくは動物（特に、ヒトを含む哺乳動物）、細胞または組織のような、任意の天然に存在するか、または天然に存在しない（すなわち、合成または組換え）分子をいう。この化合物は、単一の分子、または少なくとも2つの分子の混合物もしくは複合体であり得る。

30

【0048】

用語「候補化合物」は、目的の活性について試験されるべき（上記で規定されるような）化合物また物質をいう。本発明のスクリーニング方法では、候補化合物は、本明細書中に提供される生物マーカーの1つ以上の発現レベルを調整（例えば、増加または減少する）それらの能力について評価される。特に興味深いのは、OAをもつ患者の1つ以上の疾患指標生物マーカーの発現プロフィールを、この疾患の初期ステージに罹患した個体のそれ、または正常個体のそれにより類似した発現プロフィールに回復させ得る候補化合物である。このような化合物は、可能な「OA治療薬」である。

40

【0049】

本明細書で用いられるとき、用語「有効量」は、その意図された目的（単数または複数）を満たすに十分である化合物または物質の量をいう。本発明の文脈では、この目的（単数または複数）は、例えば：少なくとも1つの本発明の生物マーカーの発現を調整すること；および/またはOAの発症を遅延または防ぐこと；および/またはこの症状の症状の進行、増悪、または悪化を遅延または停止すること；および/またはこの疾患の症状の改善をもたらすこと、および/またはこの疾患を治療することであり得る。

【0050】

用語「システム」および「生物学的システム」は、本明細書では交換可能に用いられる。システムは、少なくとも1つの本発明の生物マーカーを発現または含み得る任意の生物

50

学的実体であり得る。本発明の文脈では、インビトロ、インビボ、およびエクスピボシステムが考慮され；そしてこのシステムは、細胞、生物学的流体、生物学的組織、または動物であり得る。例えば、システムは、生存被験体から（例えば、それは、血液を抜くことによるか、またはニードル生検によってであり得る）、または疾患被験体から（例えば、それは、解剖で得られ得る）派生し得る。

【0051】

「薬学的組成物」は、本明細書では、本発明の少なくとも1つの化合物（すなわち、少なくとも1つの本発明の生物マーカーの発現の調節剤として本発明のスクリーニングによって同定される候補化合物）、および少なくとも1つの薬学的に受容可能なキャリアを含むとして規定される。

10

【0052】

本明細書で用いられるとき、用語「薬学的に受容可能なキャリア」は、活性成分の生物学的活性の有効性を妨害せず、そしてそれが投与される濃度で宿主に過剰に毒性でないキャリア媒体をいう。この用語は、溶媒、分散媒体、被覆、抗細菌および抗真菌剤、等張剤、吸収遅延剤などを含む。薬学的に活性な物質のためのこのような媒体および薬剤の使用は、当該分野で周知である（例えば、Remington's Pharmaceutical Science、E.W.Martin、第18版、1990、Mack Publishing Co.、Easton、PAを参照のこと）。

【0053】

用語「処置」は、本明細書では、（1）OAの発症を遅延または防ぐこと；または（2）この疾患の症状の進行、増悪、または悪化を遅延または停止すること；または（3）この疾患の症状の改善をもたらすこと；または（4）この症状を治癒することを狙う方法を特徴付けるために用いられる。処置は、予防または防止的作用のために、この疾患の発症前に投与され得る。それはまた、治療作用のために、この疾患の開始後に投与され得る。

20

【0054】

（特定の好ましい実施形態の詳細な説明）

上記で述べたように、本発明は、OAの診断およびステージ分けのための改良されたシステムおよび戦略に関する。特に、本発明は、その発現がOAおよびOA進行に相関することが見出された生物マーカーの本体を提供する。

【0055】

30

I - 生体マーカー

1つの局面では、本発明は、OAの指標であるタンパク質のセットの本体を提供する。実験のセクションで詳述されるように、これらのタンパク質は、高スループットプロテオミクス技法を用いて同定された。

【0056】

（タンパク質マーカー）本明細書中に提供されるタンパク質マーカーは、図1～7に提示される表中に列挙される。

【0057】

より詳細には、健常患者から、および初期OAまたは末期OAをもつ患者から得られた滑液のサンプルを分析することにより、本出願人らは、図7（A）に列挙されるタンパク質が、正常/健常と初期OAとの間、正常/健常と末期OAとの間を区別することを見出した。本出願人らはまた、図7（B）に列挙されるタンパク質が、初期OAと末期OAとの間を区別することを見出した。

40

【0058】

さらに、本出願人らは、初期OAおよび末期OAをもつ患者から得た滑液のサンプルが、正常個体から得た滑液のサンプルと比較して、図1および図2にそれぞれ列挙されるタンパク質の過剰発現（すなわち、増加した発現レベル）を示すことを見出した。

【0059】

同様に、本出願人らは、初期OAおよび末期OAをもつ患者から得られた滑液のサンプルが、正常個体から得た滑液のサンプルと比較して、図4および図5にそれぞれ列挙され

50

るタンパク質のより低い発現（すなわち、減少した発現のレベル）を示すことを見出した。

【0060】

さらに、図3に列挙されたタンパク質は、末期OAをもつ患者からの滑液サンプル中で、初期OAをもつ患者から得た滑液サンプルと比較して増加したレベルの発現を示すことが見いだされ；その一方、図7に列挙されたタンパク質は、後期OAをもつ患者からの滑液サンプル中で、初期OAをもつ患者からの滑液サンプルと比較して減少したレベルの発現を示すことが見出された。

【0061】

従って、図1～図7に提示されるタンパク質の発現プロファイルは、OAを診断するため、およびこの疾患の進行の程度を決定する（すなわち、この疾患のステージを決定する）ために用いられ得る。

【0062】

（核酸マーカー）本発明によって提供されるその他のOA生物マーカーは、上記に記載の本発明のタンパク質マーカー（またはそのアナログもしくはフラグメント）をコードするポリヌクレオチド配列、およびこれらの核酸分子の一部分とハイブリダイズするポリヌクレオチドを含む核酸分子を含む。

【0063】

（OA発現プロファイルマップ）この疾患の特定ステージ（例えば、健常被験体、OAをもつ患者、初期OAをもつ患者、および末期OAをもつ患者）に罹患した個体からの生物学的サンプルを用いて得た所定のセットの生物マーカーの発現レベルに関する情報は、OA発現プロファイルマップを形成するためにグループ分けされ得る。好ましくは、OA発現プロファイルマップは、同じ疾患ステージをもつ多数の個体の研究から得る。特定の実施形態では、OA発現プロファイルマップは、一致した年齢、性、および身体指数をもつ個体からのサンプルを用いて確立される。各発現プロファイルマップは、未知の生物学的サンプルから生成された生物マーカー発現パターンに対する比較のためのテンプレートを提供する。OA発現プロファイルマップは、グラフ表示（例えば、紙またはコンピュータスクリーン）、物理的表示（例えば、ゲルまたはアレイ）あるいはコンピュータ読み出し可能媒体中に記録されたデジタル表示として提示され得る。

【0064】

II - 診断方法

当業者によって認識され得るように、その発現がOAと関連し、そしてこの疾患の異なるステージ間を区別し得る生物マーカーのセットは、未知の生物学的サンプルを同定/研究するために用いられ得る。従って、本発明は、OAを有すると疑われる被験体から得られる生物学的サンプルを特徴付けるため、被験体中のOAを診断するため、および被験体中のOAの進行を評価するための方法を提供する。このような方法では、被験体から得られた生物学的サンプルについて決定された生物マーカーの発現レベルが、1つ以上のコントロールサンプル中のレベルに比較される。これらコントロールサンプルは、健常個体（または健常個体の群）から、OAを罹患した個体（または個体の群）から、および/またはこの疾患の特定ステージ（例えば、初期OAまたは末期OA）に罹患した個体（または個体の群）から得られ得る。上記で述べたように、目的の生物マーカーのコントロール発現レベルは、好ましくは、有意な数の個体から決定され、そして平均値または中間値が得られる。特定の好ましい実施形態では、調査される生物学的サンプルについて決定された発現レベルは、上記に記載のように、OAについての少なくとも1つの発現プロファイルマップと比較される。

【0065】

（生物学的サンプル）

本発明の方法は、任意のタイプの生物学的サンプルの研究に適用され得、1つ以上の本発明の生物マーカーがアッセイされることを可能にする。適切な生物学的サンプルの例は、制限されないで、尿、血液、関節流体、唾液、および滑液を含む。診断の本発明の方法

の実施において用いられる生物学的サンプルは、被験体から収集された新鮮または凍結サンプル、既知の診断、処置および/または結果歴をもつ保管サンプルであり得る。生物学的サンプルは、例えば、被験体から血液を抜くこと、または微細ニードル吸引またはニードル生検を用いることによるような、任意の非侵襲的手段によって収集され得る。あるいは、生物学的サンプルは、例えば、外科的生検を含む侵襲的方法によって収集され得る。

【0066】

特定の実施形態では、本発明の方法は、サンプルを処理することなく、または限られた処理とともにこの生物学的サンプル自体に対して実施される。

【0067】

その他の実施形態では、本発明の方法は、単一細胞レベル（例えば、生物学的サンプルからの細胞の単離）で実施される。しかし、このような実施形態では、本発明の方法は、好ましくは、多くの細胞を含むサンプルを用いて実施され、ここで、アッセイは、サンプル中に存在する細胞の全体のコレクションに亘る発現を「平均する」。好ましくは、目的の生物マーカーのセットの発現を正確かつ信頼性よく決定するために十分な生物学的サンプルがある。複数の生物学的サンプルは、組織の代表的サンプリングを得るために、同じ組織/身体部分からとられ得る。

【0068】

なおその他の実施形態では、本発明の方法は、生物学的サンプルから調製されたタンパク質抽出物に対して実施される。好ましくは、このタンパク質抽出物は、総タンパク質量を含む。しかし、この方法はまた：膜タンパク質、核タンパク質、および細胞質ゾルタンパク質の1つ以上を含む抽出物に対して実施され得る。タンパク質抽出の方法は、当該技術分野で周知である（例えば、「Protein Methods」、D. M. Bollagら、第2版、1996、Wiley-Liss；「Protein Purification Methods: A Practical Approach」、E. L. HarrisおよびS. Angal（編）、1989；「Protein Purification Techniques: A Practical Approach」、S. Roe、第2版、2001、Oxford University Press；「Principles and Reactions of Protein Extraction, Purification, and Characterization」、H. Ahmehl、2005、CRC Press: Boca Raton, FL）。多くの異なる、かつ多様なキットが、体液および組織からタンパク質を抽出するために用いられ得、そして、例えば、BioRad Laboratories (Hercules, CA)、BD Biosciences Clonetechn (Mountain View, CA)、Chemicon International, Inc. (Temecula, CA)、Calbiochem (San Diego, CA)、Pierce Biotechnology (Rockford, IL)、およびInvitrogen Corp. (Carlsbad, CA) から市販され入手可能である。従われるべきプロトコルを詳細に記載するUser Guideが、通常、これらのキットのすべてに含まれる。感度、処理時間およびコストは、キット毎に異なり得る。当業者は、特定の状況に最も適切なキット（単数または複数）を容易に選択し得る。タンパク質抽出物が得られた後、この抽出物中のタンパク質濃度は、好ましくは、定量化され得るタンパク質の信号を可能にするためにコントロールサンプルのそれと同じである値に標準化される。このような標準化は、測光法または分光測定法またはゲル電気泳動を用いてなされ得る。

【0069】

なおその他の実施形態では、本発明の方法は、生物学的サンプルから抽出された核酸分子に対して実施される。例えば、RNAは、分析前にサンプルから抽出され得る。RNA抽出の方法は、当該技術分野で周知である（例えば、J. Sambrookら、「Molecular Cloning: A Laboratory Manual」、1989、第2版、Cold Spring Harbor Laboratory Press

10

20

30

40

50

s : Cold Spring Harbor, NYを参照のこと)。体液または組織からのRNA単離の大部分の方法は、RNaseを迅速かつ効率的に不活性化するためにタンパク質変性剤の存在下での組織の破壊に基く。単離された総RNAは、次いで、タンパク質夾雑物からさらに精製され得、そして選択的エタノール沈殿、フェノール/クロロホルム抽出、次いで、イソプロパノール沈殿または塩化セシウム、塩化リチウムまたは三フッ化酢酸セシウムグラジエント遠心分離によって濃縮される。体液または組織からRNA（すなわち、総RNAまたはmRNA）を抽出するためにキットもまた利用可能であり、そして例えば、Ambion, Inc. (Austin, TX)、Amersham Biosciences (Piscataway, NJ)、BD Biosciences Clontech (Palo Alto, CA)、BioRad Laboratories (Hercules, CA)、GIBCO BRL (Gaithersburg, MD)、およびQiagen, Inc. (Valencia, CA)から市販され入手可能である。

10

20

30

40

50

【0070】

特定の実施形態では、抽出後、mRNAは増幅され、そしてcDNAに転写され、これは、次いで、適切なRNAポリメラーゼによる複数ラウンドの転写のためのテンプレートとして供され得る。増幅方法は、当該技術分野で周知である（例えば、A. R. KimmelおよびS. L. Berger, Methods Enzymol. 1987, 152: 307~316; J. Sambrookら, 「Molecular Cloning: A Laboratory Manual」、1989、第2版、Cold Harbour Laboratory Press: New York; 「Short Protocols in Molecular Biology」、F. M. Ausubel (編)、2002、第5版、John Wiley & Sons; 米国特許第4,683,195号; 同第4,683,202号および同第4,800,159号を参照のこと)。逆転写反応は、係留オリゴ-dTプライマー、またはランダム配列プライマーのような非特異的プライマーを用いて、またはモニターされている各プローブに対するRNAに相補的な標的特異的プライマーを用いて、または熱安定性DNAポリメラーゼ（例えば、トリ骨髄芽球症ウイルス逆転写酵素またはMoloneyマウス白血病逆転写酵素）を用いて実施され得る。

【0071】

（タンパク質発現レベルの決定）

本発明の診断方法は、一般に、被験体から得た生物学的サンプル中の複数のポリペプチドの発現レベルの決定を含む。本発明の方法の実施におけるタンパク質発現レベルの決定は、任意の適切な方法によって実施され得る（例えば、E. HarlowおよびA. Lane, 「Antibodies: A Laboratory Manual」、1988、Cold Spring Harbor Laboratory: Cold Spring Harbor, NYを参照のこと）。

【0072】

（結合試薬）一般に、上記発現レベルは、被験体から単離された生物学的システムを、1つ以上のタンパク質マーカーのための結合試薬と接触すること; このサンプル中の、上記結合試薬に結合するポリペプチドのレベルを検出すること; およびこのサンプル中のポリペプチドのレベルを、コントロールサンプル中のポリペプチドのレベルと比較することにより決定される。本明細書中で用いられるとき、用語「結合試薬」は、本発明のタンパク質マーカーに特異的に結合するポリペプチドまたは抗体のような実体をいう。ポリペプチドに「特異的に結合する」実体は、このポリペプチドと検出可能なレベルで反応/相互作用するが、非関連配列または異なるポリペプチドの配列を含むペプチドと検出可能に反応/相互作用しない。

【0073】

特定の実施形態では、上記結合試薬は、ペプチド成分を有するかまたは有さないリボソーム、RNA分子、またはポリペプチドであり得る（例えば、タンパク質マーカーのポリ

ペプチド配列を含むポリペプチド、そのペプチド改変体、またはこのような配列の非ペプチド模倣物)。

【0074】

その他の実施形態では、上記結合試薬は、本発明のタンパク質マーカーに特異的な抗体である。本発明の方法における使用のための適切な抗体は、モノクローナル抗体およびポリクローナル抗体、免疫学的に活性なフラグメント(例えば、Fabまたは(Fab)₂フラグメント)、抗体重鎖、ヒト化抗体、抗体軽鎖、およびキメラ抗体を含む。モノクローナル抗体およびポリクローナル抗体、フラグメントおよびキメラを含む抗体は、当該技術分野で公知の方法を用いて調製され得る(例えば、R. G. MageおよびE. L. Amoyi、「Monoclonal Antibody Production Techniques and Applications」、1987、Marcel Dekker、Inc.: New York、79~97頁; G. KohlerおよびC. Milstein、Nature、1975、256: 495~497; D. Kozborら、J. Immunol. Methods、1985、81: 31~42; およびR. J. Coteら、Proc. Natl. Acad. Sci. 1983、80: 2026から203; R. A. Lerner、Nature、1982、299: 593~596; A. C. Nairnら、Nature、1982、299: 734~736; A. J. Czernikら、Methods Enzymol. 1991、201: 264~283; A. J. Czernikら、Neumethods; Regulatory Protein Modification: Techniques & Protocols、1997、30: 219~250; A. J. Czernikら、Neuroprotocols、1995、6: 56~61; H. Zhangら、J. Biol. Chem. 2002、277: 39379~39387; S. L. Morrisonら、Proc. Natl. Acad. Sci.、1984、81: 6851~6855; M. S. Neubergerら、Nature、1984、312: 604~608; S. Takedaら、Nature、1985、314: 452~454を参照のこと)。本発明の方法で用いられるべき抗体は、当該技術分野で周知の方法によって精製され得る(例えば、S. A. Minden、「Monoclonal Antibody Purification」、1996、IBC Biomedical Library Series: Southbridge、MAを参照のこと)。例えば、抗体は、タンパク質マーカーまたはそのフラグメントが結合されるカラム上の通過によりアフィニティー精製され得る。結合した抗体は、次いで、高塩濃度をもつ緩衝液を用いてこのカラムから溶出され得る。

【0075】

調製されることの代わりに、本発明の方法で用いられるべき抗体は、科学的供給源または商業的供給源から得られ得る。

【0076】

(標識された結合試薬)好ましくは、上記結合試薬は、検出可能成分で直接的または間接的に標識される。検出可能な試薬の役割は、タンパク質マーカー(またはそのアナログもしくはフラグメント)への結合試薬の結合により形成される複合体の可視化を可能にすることによって、上記診断方法の検出ステップを促進することである。好ましくは、この検出可能な試薬は、それが、測定され得、そしてその強度が、分析されるサンプル中に存在するタンパク質マーカーの量に関連する(好ましくは比例する)信号を生成するように選択される。ポリペプチドおよび抗体のような生物学的分子を標識するための方法は、当該技術分野で周知である(例えば、「Affinity Techniques. Enzyme Purification: Part B」、Methods in Enzymol.、1974、Vol. 34、W. B. JakobyおよびM. Wilneck(編)、Academic Press: New York、NY; およびM. WilchekおよびE. A. Bayer、Anal. Biochem.、1988、171: 1~32を参照のこと)。

【0077】

任意の広範な種類の検出可能な試薬が、本発明の実施において用いられ得る。適切な検出可能な試薬は、制限されないで：種々のリガンド、放射線核種、蛍光色素、化学発光試薬、マイクロパーティクル（例えば、量子ドット、ナノクリスタル、リン光体など）、酵素（例えば、E L I S Aで用いられるものなど、すなわち西洋ワサビペルオキシダーゼ、
- ガラクトシダーゼ、ルシフェラーゼ、アルカリホスファターゼ）、比色定量標識、磁性ビーズ、およびビオチン、ジオシシゲニンまたは抗血清またはモノクローナル抗体が利用可能なその他のハプテンおよびタンパク質）を含む。

【0078】

特定の実施形態では、この結合試薬（例えば、抗体）は、キャリアまたは支持体（例えば、ビーズ、磁性粒子、ラテックス粒子、マイクロタイタープレートウェル、キュベット、またはその他の反応ベッセル）上に固定化され得る。適切なキャリアまたは支持体材料は、アガロース、セルロース、ニトロセルロース、デキストラン、S e p h a d e x、S e p h a r o s e、リポソーム、カルボキシメチルセルロース、ポリアクリルアミド、ポリスチレン、斑礫岩（g a b b r o s）、フィルターペーパー、磁石、イオン交換樹脂、プラスチックフィルム、プラスチックチューブ、ガラス、ポリアミン-メチルビニル-エーテル-マレイン酸コポリマー、アミノ酸コポリマー、エレチン-マレイン酸コポリマー、ナイロン、シルクなどを含む。結合試薬は、第1の結合試薬に特異的な第2の結合試薬を用いて間接的に固定化され得る（例えば、タンパク質マーカーに特異的なマウス抗体は、キャリアまたは支持体上に被覆されたヒツジ抗マウス I g G F cフラグメント特異的抗体を用いて固定化され得る）。

10

20

【0079】

本発明の診断方法におけるタンパク質発現レベルは、免疫アッセイを用いて決定され得る。このようなアッセイの例は、ラジオイムノアッセイ、酵素免疫アッセイ（例えば、E L I S A）、免疫蛍光免疫沈降、ラテックス凝集、血球凝集、および組織化学的試験であり、これらは、当該技術分野で周知の従来方法である。当業者によって認識され得るように、上記免疫アッセイは、競争的または非競争的であり得る。結合試薬のタンパク質マーカーとの結合によつて形成される複合体によって生成される信号の検出および定量的方法は、アッセイの、および検出可能な成分（例えば、蛍光成分）の性質に依存する。

【0080】

あるいは、上記タンパク質発現レベルは、質量分析法に基く方法、またはタンパク質の検出のために当該技術分野で公知の方法に基く（標識されたりリガンドの使用を含む）イメージを用いて決定され得る。その他の適切な方法は、プロテオミクスを基礎にした方法を含む。サンプル中のタンパク質の発現の全体的変化を研究するプロテオミクスは、代表的には以下のステップを含む：（1）電気泳動（1 - D P A G E）によるサンプル中の個々のタンパク質の分離、（2）ゲルから回収される個々のタンパク質の同定（例えば、質量分析法またはN-末端配列決定による）、および（3）生物情報（b i o i n f o r m a t i o n）を用いるデータの分析。

30

【0081】

（ポリヌクレオチド発現レベルの決定）

上記で既に述べたように、本発明の診断方法は、本発明のタンパク質マーカーをコードするポリヌクレオチド配列を含む核酸分子のセットの発現レベルの決定を含み得る。本発明の方法の実施における核酸分子の発現レベルの決定は、制限されないで、S o u t h e r n分析、N o r t h e r n分析、ポリメラーゼ連鎖反応（P C R）（例えば、米国特許第4,683,195号；同第4,683,202号、および同第6,040,166号；「P C R P r o t o c o l s : A G u i d e t o M e t h o d s a n d A p p l i c a t i o n s」、Innistr（編）、1990、Academic Press：New Yorkを参照のこと）、逆転写酵素PCR（R T - P C T）、係留PCR、競争PCR（例えば、米国特許第5,747,251号を参照のこと）、c D N A末端の迅速増幅（R A C E）（例えば、「Gene Cloning and Analysis：Current Innovations、1997、99～115頁を参照の

40

50

こと」) ; リガーゼ連鎖反応 (L C R) (例えば、E P 0 1 3 2 0 3 0 8 を参照のこと) 、一側方 P C R (O h a r a ら、P r o c . N a t l . A c a d . S c i . 、1 9 8 9 、8 6 : 5 6 7 3 ~ 5 6 7 7) 、i n s i t u ハイブリダイゼーション、T a q m a n を基礎にしたアッセイ (H o l l a n d ら、P r o c . N a t l . A c a d . S c i . 、1 9 9 1 、8 8 : 7 2 7 6 ~ 7 2 8 0) 、鑑別ディスプレイ (例えば、L i a n g ら、N u c l . A c i d . R e s . 、1 9 9 3 、2 1 : 3 2 6 9 ~ 3 2 7 5 を参照のこと) およびその他の R N A フィンガープリンティング技法、核酸配列を基礎にした増幅 (N A S B A) およびその他の転写を基礎にした増幅システム (例えば、米国特許第 5 , 4 0 9 , 8 1 8 号および同第 5 , 5 5 4 , 5 2 7 号を参照のこと) 、Q レプリカーゼストランド置換増幅 (S D A) 、修復鎖反応 (P C R) 、ヌクレアーゼ保護アッセイ、サブトラクションを基礎にした方法、R a p i d - S c a n ^{T M} などを含む任意の適切な方法によって実施され得る。

【0082】

生物学的サンプル中のポリヌクレオチド配列の検出における使用のための核酸プローブは、当該技術分野で公知の従来方法を用いて構築され得る。適切なプローブは、タンパク質マーカーをコードする核酸の領域からの少なくとも5つの連続アミノ酸をコードし、そして好ましくは15~40のヌクレオチドを含む核酸配列に基き得る。核酸プローブは、結合試薬の場合に上記で述べたように、検出可能な成分で標識され得る。この核酸プローブと検出可能な成分との間の会合は、共有結合または非共有結合であり得る。検出可能な成分は、核酸プローブに直接的、またはリンカーを経由して間接的に付着され得る (E . S . M a n s f i e l d ら、M o l . C e l l . P r o b e s 、1 9 9 5 、9 : 1 4 5 ~ 1 5 6) 。核酸分子を標識するための方法は、当該技術分野で周知である (標識するプロトコル、標識検出技法およびこの分野における最近の発展の総説には、例えば、L . J . K r i c k a 、A n n . C l i n . B i o c h e m . 2 0 0 2 、3 9 : 1 1 4 ~ 1 2 9 ; R . P . v a n G i j s w i j i k ら、E x p e r t R e v . M o l . D i a g n . 2 0 0 1 、1 : 8 1 ~ 9 1 ; および S . J o o s ら、J . B i o t e c h n o l . 1 9 9 4 、3 5 : 1 3 5 ~ 1 5 3 を参照のこと) 。

【0083】

核酸プローブは、上記タンパク質マーカーをコードするポリヌクレオチドを検出するためのハイブリダイゼーション技法で用いられ得る。この技法は、一般に、被験体から得た生物学的サンプルから単離された核酸分子を、核酸プローブと、この核酸プローブと上記核酸分子中の相補的配列との間で特異的ハイブリダイゼーションが生じ得る条件下で接触すること、およびインキュベートすることを含む。インキュベーションの後、ハイブリダイズしない核酸は除去され、そして上記プローブにハイブリダイズした核酸の存在および量が検出され、そして定量される。

【0084】

タンパク質マーカーをコードするポリヌクレオチド配列を含む核酸分子の検出は、P C R のような増幅方法を用いる特異的ポリヌクレオチド配列の増幅、次いで、当該技術分野で公知の技法を用いる増幅された分子の分析を含む。適切なプライマーは、当業者によって慣用的に設計され得る。アッセイ条件下におけるハイブリダイゼーションを最大にするために、本発明の方法で採用されるプライマーおよびプローブは、タンパク質マーカーをコードする核酸の一部と少なくとも60%、好ましくは少なくとも75%そしてより好ましくは少なくとも90%の同一性を有する。

【0085】

本明細書に記載されるハイブリダイゼーションおよび増幅技法は、本発明のタンパク質マーカーをコードするポリヌクレオチド配列を含む核酸分子の発現の質的および量的局面をアッセイするために用いられ得る。

【0086】

あるいは、各タンパク質マーカーをコードする核酸由来のオリゴヌクレオチドまたはより長いフラグメントが、マイクロアレイにおける標的として用いられ得る。それらの産生

10

20

30

40

50

の多くの異なるアレイ形態および方法が当業者に公知である（例えば、米国特許番号第 5, 445, 934 号；同第 5, 532, 128 号；同第 5, 556, 752 号；同第 5, 242, 974 号；同第 5, 384, 261 号；同第 5, 405, 783 号；同第 5, 412, 087 号；同第 5, 424, 186 号；同第 5, 429, 807 号；同第 5, 436, 327 号；同第 5, 472, 672 号；同第 5, 527, 681 号；同第 5, 529, 756 号；同第 5, 545, 531 号；同第 5, 554, 501 号；同第 5, 561, 071 号；同第 5, 571, 639 号；同第 5, 593, 839 号；同第 5, 599, 695 号；同第 5, 624, 711 号；同第 5, 658, 734 号；および同第 5, 700, 637 号を参照のこと）。マイクロアレイ技法は、大多数のポリヌクレオチド配列の定常状態の同時の測定を可能にする。現在広く用いられるマイクロアレイは、cDNA アレイおよびオリゴヌクレオチドアレイを含む。マイクロアレイを用いる分析は、一般に、このマイクロアレイ上の既知の位置に固定化された核酸プローブにハイブリダイズするサンプルからの cDNA 配列を検出するために用いられる標識されたプローブから受ける信号の強度の測定を基礎にする（例えば、米国特許第 6, 004, 755 号；同第 6, 218, 114 号；同第 6, 218, 122 号；および同第 6, 271, 002 号を参照のこと）。アレイを基礎にした遺伝子発現方法は当該技術分野で公知であり、そして多くの科学的刊行物および特許に記載されている（例えば、M. Schena ら、Science、1995、270：467～470；M. Schena ら、Proc. Natl. Acad. Sci. USA 1996、93：10614～10619；J. J. Chen ら、Genomics、1998、51：313～324；米国特許第 5, 143, 854 号；同第 5, 445, 934 号；同第 5, 807, 522 号；同第 5, 837, 832 号；同第 6, 040, 138 号；同第 6, 045, 996 号；同第 6, 284, 460 号；および同第 6, 607, 885 号を参照のこと）。

10

20

30

40

50

【0087】

（OA 診断および OA ステージ分け）

一旦、（上記のように）分析されている生物学的サンプルの目的の生物マーカーの発現レベルが決定されると、それらは、1つ以上のコントロールサンプル中の発現レベルまたは OA についての少なくとも 1つの発現プロファイルマップと比較される。

【0088】

本発明の方法による発現レベルの比較は、好ましくは、得られた発現レベルが、アッセイされるサンプルの量における差異、および用いられるサンプルの質における変動（例えば、抽出されたタンパク質の量、または試験された mRNA の量および質）の両方について矯正された後に実施される。矯正は、当該技術分野で周知の異なる方法を用いて実施され得る。サンプルのタンパク質濃度は、サンプルが分析される前に、例えば、（すでに上記で述べたように）測光法もしくは分光光度法またはゲル電気泳動を用いて標準化され得る。核酸分子を含むサンプルの場合、矯正は、同じサンプル中の参照遺伝子（例えば、ハウスキーピング遺伝子）に対してレベルを正規化することによって実施され得る。あるいは、またはそれに加えて、正規化は、すべてのアッセイされた遺伝子またはその大きなサブセットの平均または中間信号（例えば、RT-PCR の場合には Ct）に基き得る（グローバル正規化アプローチ）。

【0089】

所定のセットの生物マーカーに対し、生物学的サンプルについて得られた発現パターンの、OA の特定ステージについて確立された発現プロファイルマップに対する比較は、生物マーカー毎の正規化された発現レベルの比較、および / または複数の生物マーカーのセット内の発現レベルの比の比較を含み得る。さらに、分析されている生物学的サンプルについて得られた発現パターンは、発現プロファイルマップの各々（例えば、非 OA の発現プロファイルマップ、OA の発現プロファイルマップ、初期 OA の発現プロファイルマップ、および末期 OA の発現プロファイルマップ）に対して、またはすべての OA 発現プロファイルマップに基き作製された描写を規定する発現プロファイルマップに対して比較され得る。

【 0 0 9 0 】

(適切な処置の選択)

本明細書中に記載された方法を用いて、熟練医師は、本発明の生物マーカーの発現レベルの決定を通じて患者に提供された診断および疾患ステージ分けを基に、各々の個々の患者に適合された処置を選択および処方し得る。特に、本発明は、医師に、初期OAを診断するための主観的でない手段を提供し、これは、介入がその最大の効果を有する可能性があるとき、痛みおよび長期間の無能力を潜在的に防ぎ、そして患者の生活の質を改善する初期の処置を可能にする。所定の患者のための適切な治療養生法の選択は、本発明の方法によって提供される診断/ステージ分けのみを基になされ得る。あるいは、医師はまた、OAを診断し、そしてその進行を評価するために現存する方法で用いられるその他の臨床的または病理学的パラメーターを考慮し得る。

10

【 0 0 9 1 】

さらに、本発明によって提供されるOA診断およびOAステージ分けは、軟骨破壊の徴候が見えないであろうとき、または関節スペース中の変化がX線画像上では検出可能ではないであろうときでさえ、この疾患の進行がモニターされることを可能にする。

【 0 0 9 2 】

III - キット

別の局面では、本発明は、本発明の診断方法を実施するために有用な材料を含むキットを提供する。本明細書に記載される診断/ステージ分け手順は、診断試験所、実験試験所、または開業医によって実施され得る。本発明は、これらの異なるセッティングで用いられ得るキットを提供する。

20

【 0 0 9 3 】

本発明の方法に従って、生物学的サンプルを特徴付け、被験体中のOAを診断し、そして/または被験体中のOAをステージ分けするための材料および試薬は、キット中に一緒にアセンブルされ得る。特定の実施形態では、本発明のキットは、1つ以上の本発明の生物マーカーの発現レベルを特異的に検出する少なくとも1つの試薬、および本発明の方法に従ってキットを用いるための指示書を含む。各キットは、好ましくは、上記手順を詳細にする試薬を含み得る。従って、タンパク質マーカー（またはそのアナログまたはフラグメント）を検出/定量化するために、上記タンパク質の発現レベルを特異的に検出する試薬は、上記タンパク質マーカー（またはそのアナログまたはフラグメント）を特異的に結合する抗体であり得る。タンパク質マーカーをコードするポリヌクレオチド配列を含む核酸分子を検出/定量化するために、発現レベルを特異的に検出する試薬は、このポリヌクレオチド配列に相補的な核酸プローブであり得る（例えば、cDNAまたはオリゴヌクレオチド）。この核酸プローブは、基質表面（例えば、マイクロアレイ）上に固定化されて良いし、されなくても良い。

30

【 0 0 9 4 】

手順に依存して、上記キットは：抽出緩衝液および/または試薬、増幅緩衝液および/または試薬、ハイブリダイゼーション緩衝液および/または試薬、免疫検出緩衝液および/または試薬、標識付け緩衝液および/または試薬、および検出手段の1つ以上をさらに備え得る。この手順の異なるステップを実施するためのこれら緩衝液および試薬を用いるためのプロトコルが、このキット中に含められ得る。

40

【 0 0 9 5 】

これら試薬は、（例えば凍結乾燥された）固体または液体形態で供給され得る。本発明のキットは、必要に応じて、各個々の緩衝液および/または試薬について異なる容器（例えば、バイアル、アンプル、試験管、フラスコまたは瓶）を備え得る。各成分は、一般に、その個々の容器中でアリコートされるとして適合されているか、または濃縮形態で提供される。開示される方法の特定ステップを実施するために適切なその他の容器もまた提供され得る。このキットの個々の容器は、好ましくは、商業的販売のための閉じた区画に維持される。

【 0 0 9 6 】

50

特定の実施形態では、本発明のキットは、コントロールサンプルをさらに備える。その他の実施形態では、本発明のキットは、比較テンプレートとしての使用のために本明細書中に記載されたようなOAおよび/またはOA進行の少なくとも1つの発現プロフィールマップを備える。好ましくは、この発現プロフィールマップは、コンピューター読み出し可能な媒体中に記録されたデジタル情報である。

【0097】

本発明の1つ以上の方法に従うキットを用いるための指示書は、被験体から得た生物学的サンプルを処理するため、および/または試験を実施するための指示書、結果を解釈するための指示書ならびに製造、薬剤の使用もしくは販売または生物学的製品を規制する政府機関（例えば、FDA）によって指示された形態の注意書を備え得る。

10

【0098】

IV - 候補化合物のスクリーニング

上記で注記したように、その発現プロフィールが、変形性関節症および変形性関節症進行と相関する本発明の生物マーカーは、（例えば、これらの生物マーカーの発現を阻害するか、または増大する化合物または物質を検出するためのスクリーニングを用いる）新たな治療薬の同定のための魅力的な標的である。従って、本発明は、変形性関節症を処置するため、または変形性関節症進行を調節するために潜在的に有用な化合物の同定のための方法を提供する。

【0099】

本発明の方法は、少なくとも1つの本発明の生物マーカーを発現する生物学的システムを、候補化合物と、この候補化合物が上記生物マーカーの発現を調整し、それによって試験システムを得るに十分な条件下および時間の間インキュベートする工程；この生物学的システムを、この候補化合物の不在下で同じ条件下で、かつ同じ時間インキュベートする工程であって、それによってコントロールシステムを得る工程；上記試験システム中の生物マーカーの発現レベルを測定する工程；上記コントロールシステム中の生物マーカーの発現レベルを測定する工程；および上記試験システム中で測定された発現レベルが上記コントロールシステム中で測定された発現レベルより少ないか、またはより多い場合に、上記候補化合物が上記生物マーカーの発現を調整すると決定する工程を包含する。

20

【0100】

（生物学的システム）本発明のアッセイおよびスクリーニング方法は、任意のタイプの生物学的システム、例えば、細胞、生物学的流体、生物学的組織、または動物を用いて実施され得る。特定の実施形態では、この方法は、OAに起因して軟骨退化を示し得るシステム（例えば、動物モデル、または身体部分の全部または一部分、例えば膝）を用いて実施される。その他の実施形態では、上記方法は、少なくとも1つの本発明の生物マーカーを発現または含む生物学的実体（例えば、細胞、または血液、尿、唾液、もしくは滑液のサンプル）を用いて実施される。

30

【0101】

特定の好ましい実施形態では、本発明のアッセイおよびスクリーニング方法は、標準的な組織培養プラスチックウェア中で増殖され得る細胞を用いて実施される。このような細胞は、任意の承認された供給源由来のすべての適切な通常細胞および形質転換細胞を含む。好ましくは、細胞は、哺乳動物（ヒト、またはげっ歯類もしくはサルのような動物）起源である。より好ましくは、細胞はヒト起源である。哺乳動物細胞は、任意の器官または組織起源であり得（例えば、骨、軟骨、または滑液）、そして細胞が少なくとも1つの本発明の生物マーカーを発現する限り任意の細胞タイプであり得る。

40

【0102】

本発明の方法の実施で用いられる細胞は、原発細胞、二的細胞、または不死化細胞（例えば、確立された細胞株）であり得る。それらは、当該技術分野で周知の技法によって調製され得るか（例えば、細胞は、骨、軟骨または滑液から単離され得る）、または免疫学および微生物学の市販供給源（例えば、American Type Culture Collection、Manassas、VA）から購入され得る。あるいは、または

50

さらに、細胞は、遺伝子操作されて、例えば、目的の遺伝子を含み得る。

【0103】

本発明によるアッセイを実施するための特定の細胞タイプおよび/または細胞株の選択は、その発現が調整されるべき生物マーカーの性質、およびアッセイの意図される目的のようないくつかの因子によって支配される。例えば、一次薬物スクリーニング（すなわち、スクリーニングの最初のラウンド（単数または複数））のために開発されたアッセイは、好ましくは、確立された細胞株を用いて実施され、これらは、市販され入手可能であり、そして通常比較的増殖が容易であり、その一方、薬物開発プロセスの後期で用いられるアッセイは、好ましくは、原発細胞および二次細胞を用いて実施され、これらは、一般に、不死化細胞より、得ること、維持すること、および/または増殖することがより困難であるが、これらは、インビボ状況のためのより良好な実験モデルを代表する。

10

【0104】

本発明のアッセイおよびスクリーニング方法の実施で用いられ得る確立された細胞株の例は、線維芽細胞および/または骨由来の細胞株を含む。本発明のスクリーニング方法で用いられ得る原発細胞および二次細胞は、制限されないで、軟骨細胞および骨細胞を含む。

【0105】

本発明のアッセイで用いられる細胞は、標準的な細胞培養技法に従って培養され得る。例えば、細胞は、しばしば、滅菌環境中の適切な容器中、37℃で湿潤化された95%空気-5%CO₂雰囲気を含むインキュベーター中で増殖される。容器は、攪拌された培養または静置培養を含み得る。種々の細胞培養培地は、子ウシ血清のような規定されない生物学的流体を含む培地を含んで用いられ得る。細胞培養技法は当該技術分野で周知であり、そして確立されたプロトコルは、多様な細胞タイプの培養について入手可能である（例えば、R. I. Freshney、*Culture of Animal Cells: A Manual of Basic Technique*、第2版、1987、Alan R. Liss, Inc.を参照のこと）。

20

【0106】

特定の実施形態では、上記スクリーニング方法は、マルチウェルアッセイプレートの複数のウェル中に含まれる細胞を用いて実施される。このようなアッセイプレートは、例えば、Stratagene Corp. (La Jolla, CA) および Corning Inc. (Acton, MA) から市販され入手可能であり、そして、例えば、48ウェル、96ウェル、384ウェルおよび1536ウェルのプレートを含む。

30

【0107】

（候補化合物）当業者によって認識されるように、任意の種類の化合物または作用剤が、本発明の方法を用いて試験され得る。候補化合物は、合成または天然化合物であり得；それは、単一分子または異なる分子の混合物または複合体であり得る。特定の実施形態では、本発明の方法は、1つ以上の化合物を試験するために用いられる。その他の実施形態では、本発明の方法は、化合物のコレクションまたはライブラリーをスクリーニングするために用いられる。本明細書で用いられるとき、用語「コレクション」は、任意のセットの化合物、分子または作用剤をいい、その一方、用語「ライブラリー」は、構造的アナログである化合物、分子または作用剤の任意のセットをいう。

40

【0108】

細菌抽出物、真菌抽出物、植物抽出物および動物抽出物の形態中にある天然化合物のコレクションは、例えば、Pan Laboratories (Bothell, WA) または MycoSearch (Durham, NC) から入手可能である。本発明の方法を用いてスクリーニングされ得る候補化合物のライブラリーは、調製されるか、または多くの会社から購入されるかのいずれかであり得る。合成化合物のライブラリーは、例えば、Comgenex (Princeton, NJ)、Brandon Associates (Merrimack, NH)、Microsource (New Milford, CT)、および Aldrich (Milwaukee, WI) から市販され入手可能であ

50

る。候補化合物のライブラリーはまた、例えば、Merck、Glaxo Wellcome、Bristol-Meyers-Squibb、Novartis、Monsanto/Searle、およびPharmacia Upjohnを含む大きな化学会社によって開発され、そしてそれらから市販され入手可能である。さらに、天然のコレクション、合成により産生されたライブラリーおよび化合物は、従来の化学的、物理的、および生化学的手段により容易に改変される。化学的ライブラリーは、伝統的な自動化合成、PCR、クローニングまたは所有の合成方法（例えば、S. H. DeWittら、Proc. Natl. Acad. Sci. U. S. S. 1993、90:6909~6913; R. N. Zuckermannら、J. Med. Chem. 1994、33:2059~2060; P. L. Myers、Curr. Opin. Biotechnol. 1997、8:701~707）によって調製することが比較的容易である。 10

【0109】

変形性関節症の処置のための有用な作用剤は、複素環式化合物、ペプチド、糖類、ステロイドなどを含む、広範な種類のクラスの化学品内に見出され得る。特定の実施形態では、本発明のスクリーニング方法は、小分子（すなわち、分子量<600~700Daの化合物または作用剤）である化合物または作用剤を同定するために用いられる。

【0110】

本発明の方法によるライブラリーのスクリーニングは、「ヒット」または「リード」、すなわち、所望の、しかし最適化されていない生物学的活性を所有する化合物を提供する。有用な薬物候補の開発における次のステップは、通常、ヒット化合物の化学的構造と、その生物学的または薬学的活性との間の関係の分析である。分子構造と生物学的活性とは、規定された生物学的終点に対する系統的構造改変の結果を観察することにより関係付けられる。第1ラウンドのスクリーニングから入手可能な構造-活性相関関係情報は、次に、小さな第2のライブラリーを生成するために用いられ得、これは、次により高い親和性をもつ化合物についてスクリーニングされる。臨床有用性のために要求されるすべての立体電子的、物理化学的、薬物動態学的、および毒物学的因子を充足するための生物学的に活性な化合物の合成改変を実施するプロセスは、リード最適化と呼ばれる。 20

【0111】

本発明のスクリーニング方法によって可能なOA治療薬として同定される候補化合物は、同様に、構造-活性関係分析を受け得、そして化学的に改変されて改良された薬物候補を提供する。本発明はまた、これらの改良された薬物候補を包含する。 30

【0112】

（OA治療薬の同定および特徴付け）

本発明のスクリーニング方法において、候補化合物は、試験サンプル中の生物マーカーの発現レベルが、コントロールサンプル中の同じ生物マーカーの発現レベルより低いか、またはより大きい場合、少なくとも1つの本発明の生物マーカーの発現のモジュレーターとして同定される。

【0113】

本発明の方法を用いて得られる結果の再現性は、同じ濃度の同じ候補化合物を用いた1回以上の分析を実施することによって（例えば、細胞をアッセイプレート上の1つ以上のウェルでインキュベートすることによって）試験され得る。さらに、候補化合物は、この化合物の性質およびその機構（単数または複数）の性質に依存して変動する濃度で有効であり得、変動する濃度の候補化合物が試験され得る（例えば、アッセイプレート中の細胞を含む異なるウェルで候補化合物の異なる濃度の添加による）。一般に、約1fM~約10mMの候補化合物濃度が、スクリーニングのために用いられる。好ましいスクリーニング濃度は、約10pMと約100μMとの間である。 40

【0114】

特定の実施形態では、本発明の方法は、1つ以上のネガティブまたはポジティブ制御化合物の使用をさらに含む。ポジティブ制御化合物は、スクリーニングアッセイで研究される少なくとも1つの生物マーカーの発現を調整することが知られる任意の分子または作用 50

剤であり得る。ネガティブ制御化合物は、スクリーニングアッセイで研究される少なくとも1つの生物マーカーの発現に対し検出可能でない影響を有することが知られる任意の分子または作用剤であり得る。これらの実施形態では、本発明の方法は、上記候補化合物のポジティブまたはネガティブ制御化合物の調整効果（またはその不在）に対する調整効果を比較する工程をさらに包含する。

【0115】

当業者によって認識されるように、一般に、本発明のスクリーニング方法によって同定される化合物をさらに特徴付けることが所望される。例えば、候補化合物が、所定の細胞培養システム（例えば、確立された細胞株）中の特定の生物マーカーの発現のモジュレーターとして同定された場合、この能力を異なる細胞培養システム（例えば、原発細胞または二次細胞）中で試験することが所望され得る。あるいは、またはさらに、この候補化合物の、1つ以上のその他の本発明の生物マーカーの発現に対する影響を評価することが所望され得る。薬物動態学研究および毒物学研究を実施することもまた所望され得る。

10

【0116】

本発明のスクリーニング方法によって同定された候補化合物はまた、インビボの化合物の性質の決定を可能にするアッセイでさらに試験され得る。変形性関節症の適切な動物モデルは、当該技術分野で公知である。一般に、これらのモデルは、自然および誘導（手術による不安定または遺伝子操作）の2つのカテゴリーに入る。天然に存在するOAの動物モデルは、モルモット、マウスおよびSyrianハムスターの膝関節で起こる。共通して用いられる手術による不安定性モデルは、モルモットおよびラットにおける中央半月板裂傷、ウサギにおける中央または側方部分的半月板切除術、イヌにおける中央部分的または総半月板切除術または前部十字形離断を含む。トランスジェニックモデルがマウスで開発されている。可能なOA治療剤として同定された候補化合物を試験するために適切な変形性関節症の動物モデルの例は、制限されないで、M. J. PondおよびG. Nuki、Ann. Rheum. Dis.、1973、32:387~388; T. Videman、Acta Orthop. Scand.、1982、53:339~347; S. B. Christensen、Scand. J. Rheumatol.、1983、12:343~349; A. M. Bendeleら、Vet. Pathol.、1987、24:436~443; K. D. Brandtら、J. Rheumatol.、1991、18:436~446; K. D. Brandt、Ann. NY Acad. Sci.、1994、732:199~205; C. S. Carlsonら、J. Orthop. Res.、1994、12:331~339; A. G. Famら、Arthritis Rheum.、1995、38:201~210; K. W. MarshallおよびA. D. Chan、J. Rheumatol.、1996、23:344~350; H. J. Helminenら、Rheumatol.、2002、41:848~856およびそれらの中に引用される参考文献；ならびにJ. L. Henry、Novartis Found Symp.、2004、260:139~145に記載される動物モデルを含む。

20

30

【0117】

V - 同定されたOA治療薬の薬学的組成物

本発明はまた薬学的組成物を提供し、これは、活性成分として、本明細書に開示される生物マーカーの少なくとも1つ、または生物マーカーの1つのセットの発現のモジュレーターとして本発明のスクリーニングアッセイによって同定された少なくとも1つの化合物の有効量を含む。この薬学的組成物は、当該技術分野で周知の方法を用いて処方され得る。このような組成物は、この活性成分（単数または複数）に加え、薬学的ビヒクルとして作用し、そして本明細書で「薬学的に受容可能なキャリア」と称される、少なくとも1つの薬学的に受容可能な液体、半流動体、または固体希釈剤、賦形剤または媒体を含む。

40

【0118】

本発明によれば、本発明の薬学的組成物は、本発明の1つ以上のOA治療薬を活性成分として含み得る。あるいは、1つのOA治療薬の有効量を含む薬学的組成物は、異なる本発明のOA治療薬を含む薬学的組成物と同時にまたは逐次的に患者に投与され得る。

50

【 0 1 1 9 】

本発明の別の実施形態では、本発明の O A 治療薬またはその薬学的組成物は、O A の処置に用いられる従来の治療薬と連続的または組み合わせて投与され得る。このような治療薬は、アセトアミノフェンのような痛み軽減剤；アスピリン、イブプロフェン、ナプロキセン、およびケトプロフェンのような非ステロイド抗炎症薬物（NSAID）；COX-2 インヒビター；コルチコステロイド；サプリメントのグルコサミンおよびコンドロイチン硫酸の組み合わせ；およびカプサイシンを含む過カウンター局所処方物を含む。

【 0 1 2 0 】

あるいは、または加えて、本発明の O A 治療薬、またはその薬学的組成物は、連続的に、または、粘性補填、手術、関節形成術（または関節補充手術）、関節固定術（または関節融合）、骨切り術、関節鏡検査および軟骨移植を含む変形性関節症の処置のための従来の治療養生法と組み合わせて投与され得る。

10

【 0 1 2 1 】

VI - 処置の方法

別の局面では、本発明は、変形性関節症の処置および／または予防のための方法を提供する。これらの方法は、O A を罹患している被験体に、少なくとも 1 つの本発明の生物マーカーの発現を調整する化合物の有効量を投与する工程を包含する。この化合物は、当該技術分野で公知であり得、上記少なくとも 1 つの生物マーカーの発現のモジュレーターとして作用する。あるいは、この化合物は、本発明によって提供されるスクリーニング方法によって O A 治療薬として同定され得る。

20

【 0 1 2 2 】

（被験体選択）本発明に従う処置を受けるために適切な被験体は、従来方法（例えば、放射線学的検査、臨床観察）を用いて O A と診断された個体、および本明細書中に提供される診断方法を用いて O A をもつと診断された個体を含む。適切な被験体は、この疾患のために先に伝統的な処置を受けていても良いし、または受けていなくても良い。

【 0 1 2 3 】

（投与）本発明の方法に従う処置は、所定の時間の期間に亘り、単一の用量または複数の用量からなり得る。本発明の O A 治療薬、またはその薬学的組成物はまた、治療あたりデポー（depo）形態から放出され得る。投与は、注入（皮下、静脈内、筋肉内、腹膜内など）、経口投与、局所投与、直腸投与、または舌下投与によるような任意の従来様式で実施され得る。

30

【 0 1 2 4 】

有効な投薬量および投与養生法は、良好な医療実践および個々の患者の臨床状態によって容易に決定され得る。投与の頻度は、活性成分（単数または複数）の薬物動態学的パラメーターおよび投与の経路に依存する。最適な薬学的処方物は、投与の経路および所望の投薬量に依存して決定され得る。このような処方物は、投与される化合物の生理的状态、安定性、インビボ放出の速度、およびインビボのクリアランスの速度に影響し得る。

【 0 1 2 5 】

投与の経路に依存して、適切な用量は、体重、身体表面積、また器官サイズに従って算出され得る。適切な投薬量の最適化は、ヒト臨床試験で観察された薬物動態学データを考慮して、当業者によって容易になされ得る。最終投薬量養生法は、薬物の作用、例えば、薬物の比活性、患者の損傷の重篤度および応答性、患者の年齢、状態、体重、性および食事、任意の存在する感染の重篤度、投与の時間およびその他の臨床的因子を改変する種々の因子を考慮して、担当医によって決定される。研究が行われるにつれて、O A の進行の種々のステージに対する適切な投薬量レベルおよび処置の持続時間に関するさらなる情報が出現する。

40

【実施例】

【 0 1 2 6 】

以下の実施例は、本発明をなし、そして実施する好ましい様式のいくつかを記載する。しかし、これらの実施例は、例示目的のみのためであり、そして本発明の範囲を制限する

50

ことは意味しないことが理解されるべきである。さらに、実施例中の説明が、過去形で提示されているのでなければ、テキストは、明細書の残りと同様に、実験が実際に実施されたか、またはデータが実際に得られたことを示唆することは意図されない。

【0127】

以下に提示される結果の大部分は、本出願人らにより、科学的刊行物、R. Gobezi et al., 「Proteomics: Applications to the Study of Rheumatoid Arthritis and Osteoarthritis」、J. Am. Orthop. Surg., 2006, 14:325~332、およびR. Gobezi et al., 「Highly Sensitive and Specific Candidate Protein Biomarkers for Early and Late Osteoarthritis: A Synovial Fluid Proteome Analysis」に報告されており、これは、このJournal of Proteome Researchに提示された。各々の科学的刊行物は、その全体が参考として本明細書中に援用される。

10

【0128】

(実施例1：プロテオミクスによるマーカータンパク質の同定)

(概説)

最近の研究は、血清、組織および滑液を含む複合体タンパク質流体のプロテオームを特徴付けるために質量分析法のパワーをまさに開発し始めた。しかし、この技術のOAおよびRAの研究への適用は、非常に限られている。本出願人によって提案されたプロジェクトは、少なくとも4つの患者集団：初期OAをもつ患者、末期ステージOA（または末期OA）をもつ患者、初期RAをもつ患者、および末期ステージRA（または末期RA）をもつ患者における肩および膝からの滑液のプロテオームを特徴付けるためにこの技法を採用する。これらの特徴付けは、OAおよびRAについて別個のタンパク質プロファイルを決定するため、およびこれら疾患の妥当な病因論的候補タンパク質を同定するための努力において、これら疾患状態の各々の間にこれら疾患に特異的な定量的タンパク質プロファイルを決定することを可能にする。

20

【0129】

(提案された研究の場所)

この研究のためのサンプルは、Brigham and Women'sおよびMassachusetts General Hospitalの両方で収集された。これら2つの病院における整形外科手術中の集約的実践は、これら疾患の経過の全体でRAおよびOA両方をもつ被験体を研究を研究するための多くの、そして広範な表出を可能にする。Partners Human Studies OfficeからのInternal Review Boardの認可を両方の病院でこの研究を行うために得た。

30

【0130】

さらに、Cambridge, MAにある、Harvard Partners Center for Genomics and Genetics (HPCGG)との共同研究が、HPCGGのProteomics LaboratoryのディレクターであるDavid Sarracino, Ph.D.の指示の基、LC-MS/MSを用いるタンパク質分離およびサンプルの処理にともなう彼らの専門知識を採用するために確立された。このHPCGGは、最先端技術施設であり、そしてHarvard Medical School、Partners Healthcare Inc.、および多くの製薬会社間の300百万ドルの援助の結果であり、その使命は、臨床医および科学者にゲノミクスおよびプロテオミクスへのアクセスおよび専門技術を提供することである。

40

【0131】

(研究される個体)

このパイロット研究は、4つの疾患群、すなわち：初期OA、初期RA、末期OAおよび末期RAの各々からの15人の研究被験体、および以下の基準の包含および排除に合致する健常ボランティアである20人の被験体に焦点をあてた。

50

【0132】

(統計学的分析)

患者(初期OA、初期RA、末期OA、末期RA;群あたり15)の60のサンプルサイズの膝および20の非関節炎コントロールは、90%の統計学的集合数($\alpha = 0.001$ 、 $\beta = 0.10$)を提供し、複数比較および2-テイルの α -レベルのためのBonferroni手順(バージョン5.0、nQuery Advisor、Statistical Solutions、Boston、MA)で変動の分析(ANOVA)を用いて質量分析法から同定されたタンパク質に関する有意な群の差異を検出する。

【0133】

(予備研究)

この予備研究の第1の目的は、LC-MS/MSを用いて非関節炎の膝コントロールと比較したとき、初期および末期の原発性特発性のOAをもつ膝関節からのタンパク質プロファイルを決断することであった。

【0134】

仮説:末期OAをもつ膝関節の滑液からのタンパク質プロファイルは、初期OAおよび非関節炎コントロールのそれらの両方とは異なる。

【0135】

原理的説明:先の研究は、OAの発症中の種々のステージからのタンパク質の特徴付けは、疾患の経過の間で異なることを示した。タンパク質は、ゲノム発現の機能的単位であるので、疾患に影響する病因論的実体および細胞応答のメディエーターは、疾患の重篤度が進行するにつれて量、本体またはその両方が異なる可能性がある。さらに、非関節炎滑液は、多分OAを起こすタンパク質を含まないので、この疾患における可能な病因論的作用剤と疑われる候補タンパク質は、非関節炎の関節液には存在しないであろう。

【0136】

アプローチ:コントロール群ならびに初期OAおよび末期OA研究群中の患者の選択は、OAの診断のためのKellgrenおよびLawrence Grading Systemに基づき実施された。糖尿病、その他の炎症性疾患、関節内骨折または先の3ヶ月のステロイド注射、感染、血液疾患、または癌を含む複雑な医療歴をもつ患者は、このプロジェクトの研究群のいずれにも含めなかった。さらに、この研究のアーム(arm)に含められた患者は、滑液の収集前4週間NSAID治療にはなかった。慢性関節リウマチの病歴をもつ患者は、この研究アームから排除され、このプロジェクトの最初の目的に適切である。

【0137】

詳細な包含または排除基準に合致する正常ボランティアは、IRB認可プロトコルを用いるネガティブコントロールとしてこの研究に参加のための出願人の研究所内から勧誘された。これらの患者(受診者)は、年齢が35歳未満で、そして重篤な膝の外傷、炎症性障害、コルチコステロイド使用、血液疾患、癌または血小板減少症の病歴を有さない。この年齢のカットオフは、軟骨軟化症の見える証拠を有し得る分子レベルに関してOAに向かって進行するものを含む亜臨床OAをもつ患者を含む可能性を最小にするために任意に決定された。このコントロール群の各メンバーは、記録された臨床歴、含まれる膝のX線評価(AP/側方/日の出視野(sunrise views))、および出願人の研究所中の外来患者臨床領域中で実施された関節穿刺を有した。関節穿刺の間に収集された滑液は、液体窒素中に即座に急速凍結し、そして-135°Cで貯蔵された。

【0138】

初期OA群は、出願人の部門に、半月板裂傷壊死組織切除のための選択的電気関節鏡膝手術を提示する患者の大きなプールの中から選択された。これらの関節からの滑液は、それらの手術のときにIRB認可プロトコルで「廃棄組織」として収集され、そして即座に液体窒素中に凍結され、そして-135°Cで貯蔵された。末期OA群では、原発性特発性変形性関節症と診断され、そして出願人の施設で最初の総膝(TKR)置換を提示している研究被験体の同様に大きな集団から連続的系列で選択された患者の中から類似の様式

10

20

30

40

50

で滑液が回収され、そして処理された。

【0139】

非関節炎コントロールは、初期および末期OAサンプルと同時に分析され、ランダムエラーを最小にした。LC-MS/MS分析の後、候補タンパク質の定量的ためのICAT手順が以下の方法に記載されるように実施された。

【0140】

方法：サンプル調製：各被験体からの滑液の1mLを、マイクロBCA試験で総タンパク質濃度に正規化し、そして6M尿素、100mM中炭酸アンモニウム、1%SDS、中で希釈し、ジスルフィド結合をDTTで還元し、そして得られる遊離のチオールを、ヨードアセタミドでアルキル化した。このサンプルを8倍希釈し、そしてトリブシンを基質に100:1の酵素比で添加した。消化物をギ酸でクエンチし、そしてヒアルロン酸、尿素、およびSDSをSephacrose FF SPカラム上で除去した。このカラムからの溶出液を凍結乾燥し、そしてAmersham AKTAエクスプローラーHPLCワークステーション上の強カチオン交換を経由して分画した。ペプチドは、Mono S 5/5上で、ギ酸アンモニウムのグラジエントで、30のペプチド含有フラクションに分離された。これらのフラクションを凍結乾燥し、そして100μLの5%アセトニトリル、0.1%ギ酸/水中に再懸濁し、そして内部ペプチド標準の混合物を添加した。

10

【0141】

LC-MS/MS：最初の稼動のために、この調製物の75μLを、注文バックされた250cm×30cm C18シリカバックキャピラリーHPLCカラム上に注入し、そしてマイクロスプレーインターフェースを経由して、ThermoFinnigan LCQ Deca XPプラスイオントラップMS中に2.5時間のグラジエントに亘って溶出した。第2のMS稼動は、第1のマイクロスプレー稼動から豊富度が低いペプチドの存在を示したサンプルについて実施された。これらの低レベルペプチドフラクションについて、10μLの同じフラクションが、第1のマイクロスプレー稼動から既に同定された質量のセグメント化された排除リストをもつ75cm×15cmのC18シリカバックカラム上に注入され、そして4時間に亘って分離された。

20

【0142】

分析：LC-MS/MS：生データは、BioWorks (ThermoFinnigan) を用いてペプチドに対して処理され、そしてSequest (University of Washington) を用いて非重複タンパク質データベース (NCBI) に対してサーチした。不一致ペプチドフラグメントを、共通ペプチド改変のための質量シフトを用いて同じデータベースの連続的サーチに返送した。高MS/MSイオンカウントを有し、そしてこのデータベース中の任意のタンパク質に「ヒット」しない任意の残りのペプチドを選択し、そしてDe NovoX (ThermoFinnigan) に提示した。99%以上の信頼性で6アミノ酸より大きい配列タグを生成するフラグメントパターンを、blastデータベースサーチングのために提示した。この反復アプローチは処理時間を節約し、そして先のヒットの有意さの希釈を防いだ。

30

【0143】

結果は、1のRSPとともに、+1に対して1.8より大きいXCorr値を、+2に対して2.5の、そして+3に対して3.0の荷電ペプチドをスコアした。得られたペプチドは、BioWork中で分析し、そして相対ピーク面積は、組み込みの面積計算機を用いて算出した。ICAT標識ペプチドは、Expressを用いて分析された。25%を超える算出された平均ペプチド面積をもつペプチドを単離し、そしてさらなる分析のために次に回した。

40

【0144】

Principle Component Analysis (PCA) およびWilcoxon Rank Sum Testを、このデータを分析するために用い、そして $p < 0.001$ をもつ信頼できる生物マーカーを同定した。

【0145】

50

(実施例2：初期および末期変形性関節症のための高度に感受性かつ特異的な候補タンパク質の同定：滑液プロテオーム分析)

方法

この研究のための実験デザインは、各々が初期および末期OAとそれぞれ診断された21人の患者の2つのコホートに対し、20人の健常被験体[OAなし]から、LC-MS/MSを用いて、膝滑液を鑑別タンパク質プロファイル付けすることを含む。この研究のためのすべてのサンプルは、我々の第三ケア委託センター内の患者から収集した。我々の施設のInternal Review Boardは、この研究のすべての局面を認可した。この研究に含めたすべての滑液サンプルは、膝関節からの獲得の後直ちに液体窒素中に急速凍結された。

10

【0146】

健常被験体。先行する8週間に、膝外傷、慢性の膝の痛み、先の膝手術、血液疾患、癌、軟骨石灰沈着症、コルチコステロイド注入、またはNSAID使用の任意の病歴のない20人の被験体を、それらの右/左膝の平面前部-後部、側方および日の出視野x線のために集めた。全部で78人の被験体を、これらの基準を基に我々の研究への参加を適任とした。関節穿刺を、我々の研究デザインのために必要な20のサンプルを得るためにこれらの患者の各々に対して試みた。血液汚染がなく、そして最少500 μ Lからなるサンプルをこの研究に含めた。

【0147】

初期OA被験体。45歳が最年少である中央半月板の内側-第3裂傷の選択的関節鏡壊死組織切除を提示する21人の患者からサンプルを獲得した。この内側-第3裂傷は、比較的無血管性であり、そしてそれ故、プロテオミク分析の間にOAに明白に関連するタンパク質発現を混乱させ得る炎症応答を生じる可能性は最も少ない。我々の研究には、臨床的に有意な膝外傷または感染、手術、血液疾患、癌、コルチコステロイド注入または軟骨石灰沈着症の先の病歴をもつ被験体は含めなかった。彼らの半月板裂傷の結果として、先のNSAID使用は、妥当と思われる排除規準ではなかった。初期OAの診断は、関節鏡により見える軟骨腐食の存在により関節鏡検査のときになされた。滑液は、サンプルの血液汚染を避けるように、関節鏡トロカール配置のときに獲得した。

20

【0148】

末期OA被験体。1つの滑液サンプルは、原発性特発性変形性関節症の診断のために選択的全体膝置換を提示された21人の患者の各々から獲得された。排除規準は上記のものと同一であった。各患者は、平面放射線写真上で膝の3つすべての区画の記録された腐食を有していた。滑液は、血液汚染をさけるために関節切開の前に膝関節から獲得した。

30

【0149】

集合(power)分析。管理された対をなす比較を3つの疾患クラス($n_{No. r} = 20$ 、 $n_{EOA} = 21$ 、 $n_{LOA} = 18$)間で実施した。ここで、サイズがそれぞれ18および20の2つの疾患クラスは、これらクラス間の試験されたタンパク質生物マーカーの存在における50%の相対的差異を検出するために0.05レベルの有意差()で80%の最小の統計学的集合(power)を所有している。ゼロ仮説は、2つのクラスに試験された生物マーカーの存在に差異はないことである。

40

【0150】

滑液サンプルの還元/アルキル化および電気泳動。各サンプルを、電気泳動にかける前に溶解緩衝液中で還元し、そしてアルキル化した。各サンプルを、9の分子量領域に分画した。ゲル内トリプシン消化を各サンプルからの9のスライス上で実施した。トリプシン消化の24時間後、ペプチドを抽出し、そして乾燥するまで凍結乾燥した。凍結乾燥物を質量分析法のためのローディング緩衝液中に溶解した。

【0151】

質量分析法。サンプルを、Thermo-FinniganからのLCQ DECA X PプラスProteome Xワークステーション上で分析(run)する。各分析(2.5時間)には、各サンプルの半分が、C18媒体でバックされた75 μ m i.d

50

・ x 18 cm カラム上で分離された。各サンプルの間で、5 Angio mix peptides (Michrom BioResources) の標準で、カラム性能を確実にし、そして生じ得る可能の持ち越しを観察した。この LC/Q は、1 つの MS 走査および 5 つの MS / MS 走査とともに、トップ 5 つの形態で稼動される。

【0152】

質量分析法データの処理。62 人のヒト被験体 (20 人の健常被験体 (N)、21 人の初期変形性関節症 (EOA)、および 21 人の末期変形性関節症 (LOA)) が存在する。各ヒト被験体の臨床パラメーターは、上記に詳述される。

【0153】

スペクトルは、ヒト RefSeq Human (ftp.ncbi.nih.gov) に対し、SEQUEST を用いてコンタミナントを付加しサーチした。酸化メチオニンおよびカルボキシアミドメチル化システインについては可変改変を許可した。データは、以下の規準 (1) 荷電状態 1、2 および 3 に対してそれぞれ 1.5、2.5 および 3.0 より大きいまたは等しい Xcorr、(2) 0.1 より大きい Cn および (3) 1 に等しい Rsp を用いてフィルター処理した。これらの規準をパスしたすべてのペプチドは、次いで、正確な一致についてストリングサーチで RefSeq 中のすべてのヒトタンパク質配列に戻ってマップされた。各遺伝子について、各スライスについて、ペプチドの最小 (重複を除く) セットを決定した。このリストは、降順にペプチドの総数によってソートされた。このリスト中の最初のペプチドアレイはクラスターとして規定され、そして N - 1 比較が、等しかったか、または適正なサブセットであったか否かを決定することによりリスト中のその他のアレイ毎に対で比較された。ペプチドアレイが、等しかったか、または適正なサブセットであった場合、それは、クラスターに付加され、そしてリストから除去された。このプロセスは、すべての比較が終わるまで繰り返された。各クラスターについて、最大数のペプチド要素をもつ遺伝子が、クラスターを指定するために割り当てられた。このクラスター内の複数の遺伝子が、同じ数のペプチドを有する場合、このクラスターの代表として任意の要素が指定された。クラスター間で共有されるペプチドが同定され、そしてさらなる分析から除かれた。

【0154】

ペプチド面積は、60 の走査ウインドウで BioWorks 3.1 (Thermo Electron Corporation) 中の面積関数を用いて算出した。遺伝子面積は、クラスター内すべての特有のペプチドについて、各独立の分析物の面積の合計として算出された。最大面積が選択され、そして面積算出において用いられた。独立の分析物は、フィルタリング基準を通過する SEQUEST サーチ中で同定された荷電に対する特有の質量として規定される。

【0155】

特有の GenInfo 受託番号 (GI#) をもつ 135 のタンパク質が、各サンプルを 9 のタンパク質ゲルスライスに分割して、62 のすべてのヒトサンプルについて LC / MS / MS によって同定された。同じ GI# をもつ 1 とカウントされた 2 つのタンパク質が、別個のゲルスライス中で検出された場合、そのときは、342 のそのようなゲルで集中する要素があることに注目すべきである。このゲルで集中するカウントスキームを考慮することは、1 つのタンパク質 (その特有の GI# をもつ) は、別個のゲルスライス中で LC / MS / MS によって検出される別個のペプチド配列に生物学的プロセスの間に分解され得るので合理的である。豊富度の 2 つの測定が、各ゲルスライス中で各検出されたペプチド / タンパク質について考慮された：面積および被写域 (Coverage) である。この研究における豊富度の第 1 の測定である面積は、クラスター内のすべての特有のペプチドに対する各独立の分析物についての面積の合計をいう負でない実数である。分析物面積は、60 の走査ウインドウで BioWorks 3.1 (Thermo Electron Corporation) 中の面積関数を用いて算出した。複数の面積が、所定の分析物について同定されたとき、最大の面積が選択され、そしてこの面積算出で用いられた。独立の分析物は、フィルタリング基準を通過する SEQUEST サーチ中で同定さ

れた荷電に対する特有の質量として規定される。豊富さの第2の測定である被写域は、遺伝子の長さによって分割される所定の遺伝子にマップされ得る非重複ペプチド残基の数をいう負でない領域数であり - 同じペプチドが、しばしば複数回配列決定され、そして我々は、我々のサーチが、内部トリプシン切断部位をもつペプチドを同定することを可能にする。このデータセットは、それらのエントリーが面積または被写域のいずれかである、342らのゲルで集中されるタンパク質要素×62のヒトサンプルの代数的マトリックスとして表現され得る。

【0156】

主成分分析。主成分分析 (PCA) を、62のすべてのサンプルと、342のタンパク質プロファイルとの間の優勢な全体のサンプル変動を評価するために用い、そしてこのデータセットを、この全体のサンプル変動に最も影響する優勢な特徴の減少した数の点から要約した (O. Alterら、Proc. Natl Acad Sci USA、2000、97:10101~10106; A. T. Khoら、Genes Dev.、2004、18:629~640; J. Misraら、Genome Res.、2002、12:1112~1120)。ゲルで集中するタンパク質の豊富さの尺度としての面積で、最初の3つのPCのみで、全体のサンプル変動の98.33%を捕捉した。

【0157】

Wilcoxonのランクサム試験。各タンパク質について、非パラメーターWilcoxonランクサム試験を用いて、任意の2つの別個のヒト疾患状態 - N、EOA、またはLOA - からのその豊富さ測定 (面積および被写域) が共通の分布に由来するというゼロ仮説を試験した。このゼロ仮説は、 $p < 0.000001$ について、すなわち、 $p < 0.000001$ のとき拒絶され、特定のタンパク質は、上記2つの疾患状態間で区別されて豊富であった。

【0158】

結果

サンプル間のプロテオミックプロファイル関係。62のすべての滑液サンプル間のプロテオミックプロファイル関係を調査した。各サンプルを、342のゲルで集中するタンパク質プロファイルとして表した。全体のデータセットは、342 - タンパク質×62のヒトサンプルのマトリックスであり、エントリーとして面積ベースの測定をもつ。

【0159】

62のすべてのヒトサンプルに対するPCAを用い、3つのLOAサンプルプロファイルが、残りの59から統計学的に外にあることが観察された。これら3つの分離物は、引き続きデータ分析から除去され、このデータセットを、342 - タンパク質×59ヒトサンプルとして考慮するようにした。サンプル分散の90.35%を占めるサンプル分散の2つの最大かつ重要方向 - 主要成分1 (PC1) および2 (PC2) - にあるこのデータのPCAは、図3に示される。健常被験体プロファイル ($n = 20$) は、EOA ($n = 21$) プロファイルおよびLOA ($n = 19$) プロファイルよりプロテオミックではより均一であることが観察された。最大分散PC1の方向は、疾患状態と相関しているようである。顕著なことに、この非管理分析は、342 - タンパク質プロファイルレベルでEOAとLOAとの間の明瞭な区別を示さなかった。

【0160】

健常対EOAプロテオミックプロファイルで区別される豊富さのタンパク質。

【0161】

健常群とEOA群との間で区別される豊富さ (面積測定による) であったタンパク質を、次いで、ここで調査した。EOAは、組み合わせたEOAおよびLOAサンプルから3つのLOA分離物を引いたものをいう。このEOA - LOA統合は、全体のEOAおよびLOAプロテオミックプロファイル間では、区別の欠如を示す先行する非管理PCAによって正当化される。

【0162】

管理Wilcoxonランクサム試験は、健常群とEOA群との間で有意に区別される豊

富さをもつ ($p < 0.00001$) 15 の特有のタンパク質を返した (図 4 を参照のこと)。この数学的アルゴリズムで用いられた小 p 値は、より便利な技法を用いる選択的な将来の研究のために適切な管理可能な数に、候補タンパク質生物マーカーの数を減らすために任意に選択された。これら 15 のタンパク質は、先行する PCA における PC1 および PC2 中のトップ 100 のサンプル分散 - 寄与遺伝子の中にある。3 つのタンパク質の例外を除き、すべては、健常群より OA において有意により豊富である (図 4 を参照のこと)。

【0163】

生物マーカーの感度および特異性。上記の 3 つの比較 - 健常対 EOA、健常対 LOA、または EOA 対 LOA - の任意の 1 つの間で区別されて表現される 15 のタンパク質について、各タンパク質の特異性および感度 (それらの鑑別的発現) を算出した (図 13) 我々は、健常対 EOA 比較における例示のタンパク質 Q について特異性および感度を示す。20 人の健常サンプルおよび 20 人の EOA サンプル中のタンパク質 Q の中間発言値を q と仮定し、しかも、Q レベルは、健常クラスと正に相関しているとする。2 × 2 の密接関連テーブルを、各疾患クラス (健常または EOA) 中のサンプルの数および q に対する各サンプル中のタンパク質 Q の発現レベルをカウントすることにより形成する：

【0164】

【表 1】

	健常 (n=20)	EOA (n=20)
Q レベル $\geq v_q$	# 真のポジティブ (TP)	# 偽のポジティブ (FP)
Q レベル $< v_q$	# 偽のネガティブ (FN)	# 真のネガティブ (TN)

感度は、 $(\#TN) / (\#TN + \#FP)$ として規定し、その一方、特異性は $(\#TP) / (\#TP + \#FP)$ として規定した。これら 15 の鑑別的に発現されるタンパク質の合わせた平均感度および特異性は、それぞれ、84.58% および 84.58% である。しかし、候補タンパク質生物マーカーのこのパネルを用い、初期および末期 OA をそれぞれ同定するために 99% より大きい感度および特異性が達成され得る (図 13 を参照のこと)。

【0165】

考察

現在、変形性関節症の初期検出のための臨床使用における生物マーカーはない。健常被験体および変形性関節症をもつ患者の膝からの滑液の現在の比較プロテオミックス分析は、15 の鑑別的に発現されたタンパク質生物マーカーの同定を得た。高感度および特異性の両方を所有する単一の生物マーカーはないが、群としての生物マーカーのパネルは、それぞれ、ほぼ 100% の合わせた感度および特異性を示した。本発明者の知識では、この研究は、プロテオミックス分析を用いて同定された変形性関節症のための高感度および特異的候補生物マーカーの最初の成功した同定を示す。

【0166】

OA および慢性関節リウマチ (RA) の生物マーカーの発見は、活発な研究および進行中の領域である。いくつかの候補生物マーカーが、変形性関節症について種々の技法をも用いて同定されている。これらの生物マーカーの最も有望な 1 つは、軟骨分解のためのマーカー CTX - II である。研究者は、この生物マーカーが、健常コントロールから RA および OA を区別する能力を有することを示した (S. Chrisgau ら、Bone、2001、29:209~215)。その他の研究は、尿で軟骨分解を検出するこの候補生物マーカーの可能性を示した (M. Jung ら、Pathobiology、2004、71:70~75)。この候補生物マーカーが、いくつかの研究が示したように (S. Chrisgau ら、Bone、2001、29:209~215; P. Garner ら、Ann. Rheum. Dis.、2001、60:619~626) 疾患の重篤度を

定量的に追う場合、開発中の治療薬の効き目のモニターとして有用であり得る。CTX-IIは、1つの研究では、放射線学的疾患進行を予言することが示されている(M. Reigmanら、Arthritis Rheum.、2004、50:2471~2478)。しかし、候補生物マーカーまたは尺度から臨床的に有用な生物マーカーに真に移行するために、感度、特異性および予想値が、大きな検証された患者集団で決定されることが重要である。

【0167】

OAおよびRAのための可能な生物マーカーとして同定された別の重要なタンパク質は、軟骨オリゴマトリックスタンパク質(COMP)(C. S. Carlsonら、J. Orthop. Res.、2002、20:92~100; A. D. Reckliesら、Arthritis Rheum.、1998、41:997~1006; M. Sharifら、Br. J. Rheumatol.、1995、34:306~310; M. Skoimalら、Scand. J. Rheumatol.、2003、32:156~161)。CTX-IIのように、いく人かの研究者は、この候補生物マーカーは、血清中の疾患進行に従うレベルを有し得、そして放射線学的に関節破壊と関連することを報告した(M. Shrifら、Arthritis Rheum.、2004、50:2479~2488; V. Vilimら、Arch. Biochem. Biophys.、1997、341:8~16)。YLK-40は、末期ステージOAおよび活性RAをもつ患者の血清および滑液に見出される報告された能力をもつ別の候補生物マーカーである。それは初期OAの間に見出されないことを示す証拠は、OAのための可能な生物マーカーとしての候補性をアピールすることをはるかに低くする(T. Conrozierら、Ann. Rheum. Dis.、2000、59:828~231; S. Harveyら、Scand. J. Rheumatol.、2000、29:391~393; J. S. Johansenら、Br. J. Rheumatol.、1996、35:553~559; J. S. Johansenら、Br. J. Rheumatol.、1993、32:949~955)。別のタンパク質5D4のレベルは、OAおよびRA患者の滑液および血清中で減少することが報告され、示されている(A. R. Pooleら、J. Clin. Invest.、1994、94:35~33; M. Sharifら、Br. J. Rheumatol.、1996、35:951~957)が、このデータは、OA患者における上昇したレベルを報告するその他の研究者と混乱している(G. V. Campionら、Ann. Rheum.、1991、34:1254~1259; F. Mehrabanら、Ann. Rheum.、1991、34:383~392)。ヒアルロナンと凝集する大きな分子であるアグレカン(AggreCAN)はまた、可能な生物マーカーとして同定され、そして軟骨形成の指標と考えられている(P. Garneroraら、Ann. Rheum. 2000、43:953~968)。アグレカン846は、OA患者の滑液および軟骨内に高濃度で見出されている(L. S. Lohmanderら、Ann. Rheum.、1999、42:534~544; A. R. Pooleら、J. Clin. Invest.、1994、94:25~33; G. Rizkallaら、J. Clin. Invest.、1992、90:2268~2277)。アグレカン846の血清レベルは、OAの最も末期の間に最高のレベルであると報告され(A. R. Pooleら、J. Clin. Invest.、1994、94:25~33)、その一方、RA患者における研究からの関係は、これらのレベルは、疾患のサブタイプとともに変動する(Manssonら、J. Clin. Invest.、1995、107:1~1077)。本発明者らの予備データは、アグレカン、初期および末期OAの高度に感受性の候補生物マーカーとして、健全な関節炎でない膝の滑液内で最も高いレベルであるレベルで含む(図13を参照のこと)。いくつかの軟骨分解産物およびCOMPは、質量分析計上の本発明者らのサンプルから同定されたが、それらは、一旦、本発明者らのデータの統計学的および数学的分析が実施されると、感度および特異性によって表されるように予測値を保持しなかった。

【0168】

本発明者らの研究からの変形性関節症サンプル中の細胞外システインプロテアーゼイン

10

20

30

40

50

ヒビターであるシスタチン A の不在は、シスタチンの下方制御を変形性関節症の発症にリンクした先の研究からの結果を確認する (M. Abrahamsonら、Biochem. Soc. Symp.、2003、70:179~199; B. Lenarcicら、Biol. Chem. Hoppe Seyler、1988、369 補遺:257~261; J. Martel-Pelletierら、J. Orthop. Res. 1990、8:336~344; V. TurkおよびW. Bode、FEBS Lett.、1991、285:213~219)。この知見はまた、初期変形性関節症の発症におけるカテプシンの重要な役割を示唆する研究 (R. A. Doddsら、Ann. Rheum.、1999、42:1588~1593; D. Gabrijelcicら、J. Clin. Chem. Clin. Biochem.、1990、28:149~153; W. S. Houら、Ann. Rheum.、2002、46:663~674; G. M. Keyserら、Ann. Rheum.、1995、38:976~984; Y. T. Konttinenら、Ann. Rheum.、2002、46:953~960; J. P. Morkoら、Ann. Rheum. Dis.、2004、63:649~655) に対する支持を提供する。この仮説は、アグレカン - 1 を分解するカテプシンの機能的能力によってさらに支持される。OA 滑液中のシスタチンプロテアーゼインヒビターの不在は、アグレカン - 1 およびその他の軟骨成分の分解を可能にし得、そしてそれによって、OA の病因に寄与し得る。変形性関節症におけるカテプシン、シスタチンおよびアグレカンの間の正確な相互役割は、さらなる研究のための主題のままである。

10

20

【0169】

OA に対する信頼性のある生物マーカーの開発は、少なくとも3つの様式でこの疾患の機構の処置および理解を改善することで発展に顕著に寄与し得る。第1は、この生物マーカーは、疾患の初期ステージにある変形性関節症を同定するための診断として用いられ得る。任意の疾患についてこの能力の生物マーカーを用いる臨床的衝撃は、一旦、それが同定されると、この疾患を治癒または停止する現存する治療薬の効き目に関連する。現在、OA を処置するために用いられるいくつかの薬物があり、そしてそれらのいずれも、疾患進行を停止するか、臨床試験で関節破壊を逆行することは納得いくように示されていない。初期疾患の診断薬としてのOA生物マーカーの役割は、関節破壊を逆行し、または疾患進行成熟を防ぐ治療薬の開発として増加して価値あるものとして増加する。初期OAを検出する生物マーカーの第2のかつより即座の必要性は、治療介入の効き目のモニターとしての可能な使用のためである。OA に対する薬物開発の最も高価な局面の1つは、特定の候補の薬学的治療が患者で有効かつ安全であるか否かを決定することに付随するコストと時間である。この困難性は、臨床研究で検証され、そしてそのレベルが疾患重得度を追うOAのための感受性かつ特異的生物マーカーの不在から生じる。OA生物マーカーの第3の重要な適用は、この疾患の臨床的サブクラスを規定するためにそれらを利用する可能性に関する。最近の研究および臨床的経験は、非炎症性関節炎について表現型が異なるサブクラスの存在を含む。しかし、これらの表現型について科学的に知られていることはほとんどなく、そしてこの疾患の初期ステージの間にOAのより攻撃的なサブタイプをもつ患者を臨床的に同定する方法はない。疾患の初期ステージの間にOAないのサブタイプを生化学的に区別する能力は、この障害の病態生理学への価値ある洞察に至り得、そして一旦有効な治療薬が開発されると臨床的決定をなすことを知らせ得る。

30

40

【0170】

本発明の研究、およびより便利な研究技法を用いるその他からの有望な結果にかかわらず、いくつかの重要な原理が、「疾患生物マーカー」の規定に関し、注意深い考慮が必要である。第1に、タンパク質またはタンパク質のセットが生物マーカーであるために、問題の遺伝子またはタンパク質は、2つ以上の生物学的状態間を鑑別する能力を証明する必要がある。この規準は、所定のタンパク質または遺伝子の単純な測定から生物マーカーを区別する。第2に、候補生物マーカーは、それを超えるか、またはそれ未満で疾患の存在を予見し得る閾値を検証する適切な臨床研究で検証される必要がある (J. LaBaer、J. Proteome Res.、2005、4:1053~1059)。この方法で

50

の候補生物マーカーの検証は、臨床的に有用な試験としてのそれらの適用に向けて生体に重要なステップである。第3に、生物マーカーの疾患状態間を区別する能力は、予見値を示す必要がある（J. LaBaer、J. Proteome Res.、2005、4：1053～1059）。候補生物マーカーとして特定のタンパク質を評価する最も多い公開された研究は、「t検定」またはANOVAのいずれかを用いる、その統計的有意差を決定するために正常コントロールに対して所定の疾患状態における生物マーカーの平均値を比較する。この方法論は、良好な生物マーカーであるべき任意の所定の遺伝子またはタンパク質標的の定性に関して正道を逸脱した結論に至り得る。任意の候補生物マーカーの価値を評価する優れた方法は、その感度および特異性を決定することである。なぜなら、これらの統計学的ツールは、研究者が、相対的なタンパク質の豊富さが、試験された集団にかかわらず、2つの疾患を分離するために「十分に異なる」か否かを決定することを可能にするからである。これらの原理は、本発明者の研究のデザインに取り込まれ、予見値をもつ生物マーカーのパネルは、初期および末期OAが識別され得るために、統計学的に有意差だけではない。

10

20

30

【0171】

本研究からのデータの分析は、さらなる研究を必要とし得るOA病態生理学の本発明者らの理解に関する2つのその他の可能な重要である含意を有している。第1に、ピーク面積を用いる主要な成分分析は、OAコホート内に2つの別個の集団を示した。これらの別個の群は、初期および末期OAの両方に存在した（図11）。OAコホートのために含める規準は、原発性特発性変形性関節症をもつ患者を識別するために設計されたので、この観察は、「原発性」変形性関節症が、事実、不均質疾患であることを示唆する。本発明者らの研究において各患者の医療歴および薬物療法記録の本発明者らの分析は、薬物療法、疾患または個体群統計学から得られるタンパク質発現について変動における任意の統計的に有意な関係を同定できなかった。従って、これらの候補生物マーカーは、さらなる研究のために患者間のOAの特定のサブクラスを選択することで有用であり得る。第2に、本研究に由来するOAのためのこの候補生物マーカープロフィールは、変形性関節症の病理機構は、疾患の経過全体で分子レベルで有意に変化しないことを示唆する。初期および末期変形性関節症が、分子変化の進行によって表されるのであれば、本発明者らは、疾患進行をもつこれら2つの疾患群のタンパク質発現プロフィールにおいて分散を観察することを期待し得る。むしろ、OAの病態生理学は、「ドロップボール」減少に似ているかも知れない。すなわち、関節炎の関節内の病態生理学的変化の連続的かつ不変サイクルが、多数月～年の期間に亘って継続し、関節軟骨の破壊を生じ、表現型で末期OAを生じる。

【0172】

本研究で提示されるOAの候補タンパク質生物マーカーは、予見的かつ臨床的に有用なOA生物マーカーを同定することに向けて重要なステップを提示する。しかし、これらの候補生物マーカーのさらなる検証が、それらが臨床的に有用である得る前に必要であり得る。第1に、これらタンパク質の疾患特異的性能が、慢性関節リウマチのような疾患に対して決定される必要がある。第2に、年齢に合致した健常コントロール群が、これら候補生物マーカーの予見値が関節軟骨における年齢関連変化にかかわらず確立され得るように分析される必要がある。第3に、これら候補生物マーカーの臨床的有用性を最大にするために、尿および血液のような、より容易に接近可能な体液におけるそれらの性能が研究される必要がある。最後に、これらの候補生物マーカーの検証規準が首尾良く実施される場合、そのときは、多くの患者が迅速かつ同時に分析され得る、タンパク質マイクロアレイのような、より容易なアッセイプラットフォームが開発される必要がある。

40

【0173】

（その他の実施形態）

本発明のその他の実施形態は、本明細書を考慮することから、または本明細書中に開示される本発明の実施から、当業者に明らかである。明細書および実施例は、例示のみとして考慮されることが意図され、本発明の真の範囲は、添付の請求の範囲によって示される。

50

【図面の簡単な説明】

【0174】

【図1】図1は、正常個体の滑液サンプルと比較して、初期変形性関節症をもつ患者の滑液サンプル中で上方調節されることが見出された ($p > 0.001$) 26のタンパク質のリストを示す。

【図2】図2は、正常個体の滑液サンプルと比較して、末期変形性関節症をもつ患者の滑液サンプル中で上方調節されることが見出された ($p > 0.001$) 26のタンパク質のリストを示す。

【図3】図3は、初期変形性関節症をもつ患者の滑液サンプルと比較して、末期変形性関節症をもつ患者の滑液サンプル中で上方調節されることが見出された ($p > 0.05$) 13のタンパク質のリストを示す。

【図4】図4は、正常個体の滑液サンプルと比較して、初期変形性関節症をもつ患者の滑液サンプル中で下方調節されることが見出された ($p > 0.001$) 10のタンパク質のリストを示す。

【図5】図5は、正常個体の滑液サンプルと比較して、末期変形性関節症をもつ患者の滑液サンプル中で下方調節されることが見出された ($p > 0.001$) 6つのタンパク質のリストを示す。

【図6】図6は、初期変形性関節症をもつ患者の滑液サンプルと比較して、末期変形性関節症をもつ患者の滑液サンプル中で下方調節されることが見出された6つのタンパク質のリストを示す。

【図7】図7(A)は、初期変形性関節症と正常/健常サンプルとの間、または後期変形性関節症と正常/健常サンプルとの間を識別することが見出されたタンパク質のリストを示す。図7(B)は、初期変形性関節症と末期変形性関節症との間を識別することが見出されたタンパク質のリストを示す。

【図8A】図8は、初期変形性関節症の候補生物マーカーのリストを示す。

【図8B】図8は、初期変形性関節症の候補生物マーカーのリストを示す。

【図8C】図8は、初期変形性関節症の候補生物マーカーのリストを示す。

【図9A】図9は、末期変形性関節症の候補生物マーカーのリストを示す。

【図9B】図9は、末期変形性関節症の候補生物マーカーのリストを示す。

【図9C】図9は、末期変形性関節症の候補生物マーカーのリストを示す。

【図10A】図10は、図7上に提示される表中に列挙されたタンパク質について得られた結果を示す。

【図10B】図10は、図7上に提示される表中に列挙されたタンパク質について得られた結果を示す。

【図11】図11は、342すべてのタンパク質スポットの主要成分分析を示すグラフである(実施例2を参照のこと)。健常被験体対末期および初期変形性関節症についてタンパク質プロファイルの鑑別的発現が、この調べた分析技法を用いて観察される。

【図12】図12は、質量分析法からの総イオン電流を用いる生物マーカーの相対的定量の結果を示すグラフである(実施例2を参照のこと)。コントロールと「疾患」コホートとの間のカットオフ値を決定することは、「生物」マーカーとしてのタンパク質または遺伝子標的の確立に向かったの必要な基準の1つである。

【図13】図13は、Supervised Wilcoxonランクサム検定の結果を要約する表を示し、これは、健常群とOA群との間で有意に鑑別できる豊富さをもつ ($p < 0.00001$ 、およびPCAを用いるトップ100ないのランク順序)特有のタンパク質を返答した。

10

20

30

40

【 図 1 】

アポリボタンパク E
補体コンポーネント 3
フィブリノゲン、A α ポリペプチド
アフアミン
α -2-マクログロブリン
アポリボタンパク B (Ag α 抗原を含む)
フィブリノゲン、 γ ポリペプチド
プラスミノーゲン
オロソムコイド 1
グループ特異的コンポーネント (ビタミンD結合タンパク質)
アポリボタンパク H (β -2-糖タンパク I)
α -1-ミクログロブリン/ビクニン前駆体
補体コンポーネント 4A
セリン(またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター、クレードG
フィブリノゲン、B β ポリペプチド
セルロプラスミン(フェロキシダーゼ)
フィブロネクチン 1
H 因子 1 (補体)
セリン(またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター、クレードA
トランスフェリン
インター- α (グロブリン)インヒビター H1
インター- α (グロブリン)インヒビター H2
オロソムコイド 2
短縮タンパク質
キニノーゲン1
B因子、プロバージョン

Figure 1

【 図 2 】

補体コンポーネント 3 D
セルロプラスミン(フェロキシダーゼ)
アポリボタンパク H (β -2-糖タンパク I)
グループ特異的コンポーネント (ビタミンD結合タンパク質)
H 因子 1 (補体)
オロソムコイド 1
セリン(またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター、クレードA
ハプトグロビン
α -1-ミクログロブリン/ビクニン前駆体
フィブリノゲン、 γ ポリペプチド
フィブリノゲン、B β ポリペプチド
アポリボタンパク B (Ag α 抗原を含む)
アポリボタンパク E
トランスフェリン
フィブロネクチン 1
補体コンポーネント 4A
α -2-マクログロブリン
トランスフェリン // 3q22.1
フィブリノゲン、A α ポリペプチド
フィブロネクチン 1
補体コンポーネント 1、Q サブコンポーネント、 β ポリペプチド
ハプトグロビン関連タンパク質
セリンプロテイナーゼインヒビター、クレードA、メンバー-3
オロソムコイド 2
プラスミノーゲン
アフアミン
ルミカン

Figure 2

【 図 3 】

セリンプロテイナーゼインヒビター、クレード A
アポリボタンパク B 抗原)
パラオキシナーゼ 1
ケラチン 6A
フィブロネクチン 1
α -2-マクログロブリン
ケラチン 2A
トランスフェリン
グループ特異的コンポーネント
補体コンポーネント 3
セルロプラスミン(フェロキシダーゼ)
ケラチン 4
ケラチン 14

Figure 3

【 図 4 】

アグレカン 1
パラオキシナーゼ 1
ケラチン 6A
ケラチン 6B
ケラチン 4
ケラチン 14
ケラチン 10
ケラチン 8
ケラチン 2A
ケラチン 1

Figure 4

【図 5】

アグレカン 1
ゲロシン (アミロイドーシス)
アルブミン
ケラチン 4
ケラチン 6A
ケラチン 6B

Figure 5

【図 6】

アグレカン 1
アルブミン
キニノーゲン
インター α (グロブリン) インヒビター H1
インター α (グロブリン) インヒビター H2
α -1-ミクログロブリン / ビクニン前駆体

Figure 6

【図 8 A】

スライ	gld	名 称	P-値 (E-N)
9	4026762	ハプトグロビン	0.000
9	47132551	フィブロネクチン1インフォーム2プレプロタンパク	0.000
6	50559080	セリン(またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター、クレードA、メンバー-S前駆体 (NP_001076)	0.000
5	19923106	予測: アポリポタンパク A-I 前駆体 (Apo-AI) に類似 (XP_496536)	0.000
9	50559080	セリン(またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター、クレードA、メンバー-S前駆体 (NP_001076)	0.000
9	4504783	インター α (グロブリン) インヒビター H2	0.000
6	4502153	アポリポタンパク B (Ag(x) 抗原を含む)	0.000
1	4504783	インター α (グロブリン) インヒビター H2	0.000
1	4502153	アポリポタンパク B (Ag(x) 抗原を含む)	0.000
4	4502027	アルブミン	0.000
6	4557871	トランスフェリン	0.000
3	47132557	フィブロネクチン1インフォーム1プレプロタンパク	0.000
9	50363219	セリン(またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター、クレードA、(α -1 抗プロテイナーゼ、抗トリプシン)、メンバー-1 (NP_001002236)	0.000
8	4557225	α -2-マクログロブリン	0.000
9	51472614	予測: KIAA1501 タンパク質に類似 (XP_370973)	0.000
7	4557871	トランスフェリン	0.000
6	4557385	補体コンポーネント3	0.000
3	4557485	セルロブラスミン (フェロキシダーゼ)	0.000
6	16933542	フィブロネクチン1インフォーム3プレプロタンパク	0.000
6	4557385	補体コンポーネント3	0.000
5	47132549	フィブロネクチン1インフォーム8プレプロタンパク	0.000
7	4557225	α -2-マクログロブリン	0.000
7	47132620	ケラチン 2A (Slemens の表皮水疱性魚鱗病 (epidermal ichthyosis bullosa))	0.000
6	4557225	α -2-マクログロブリン	0.000
6	32483410	グループ特異的コンポーネント (ビタミンD結合タンパク)	0.000
9	4504781	インター α (グロブリン) インヒビター H1	0.000
8	4504783	インター α (グロブリン) インヒビター H2	0.000
7	15431310	ケラチン 14 (単純型先天性表皮水疱症, Dowling-Meara, Koebner)	0.000
1	4502067	α -1-ミクログロブリン/ビクニン前駆体	0.000
2	4504893	キニノーゲン1	0.000
1	4504781	インター α (グロブリン) インヒビター H1	0.000
5	4502027	アルブミン	0.000
5	50363219	セリン(またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター、クレードA、(α -1 抗プロテイナーゼ、抗トリプシン)、メンバー-1 (NP_001002236)	0.000
6	4502027	アルブミン	0.000
7	51476111	予測: アポリポタンパク A-I 前駆体 (Apo-AI) に類似 (XP_496536)	0.000
7	4502027	アルブミン	0.000
5	4826762	ハプトグロビン	0.000
8	4502027	アルブミン	0.000
3	4557871	トランスフェリン	0.000
5	32483410	グループ特異的コンポーネント (ビタミンD結合タンパク)	0.000
2	47132555	フィブロネクチン1インフォーム4プレプロタンパク	0.000
6	4557385	補体コンポーネント3	0.000
5	9257232	オロソムコイド 1	0.000

Figure 8(A)

【図 7】

(A)

フィブロネクチン1インフォーム1プレプロタンパク
セルロブラスミン (フェロキシダーゼ)
セリン(またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター、クレードA、(α -1 抗プロテイナーゼ、抗トリプシン)、メンバー-1 (NP_001002236)
予測: アポリポタンパク A-I 前駆体 (Apo-AI) に類似 (XP_496536)
ハプトグロビン
トランスフェリン
グループ特異的コンポーネント (ビタミンD結合タンパク)
補体コンポーネント3
オロソムコイド 1
フィブリノゲン、B β ポリペプチド
フィブリノゲン、 γ 鎖インフォーム γ -A 前駆体
H 因子 1 (補体)
補体コンポーネント3
α -2-マクログロブリン
アポリポタンパク E
ハプトグロビン
トランスフェリン
トランスフェリン
アポリポタンパク H (β -2-糖タンパク I)
補体コンポーネント4Bプロプレタンパク (NP_001002029)
フィブリノゲン、 α 鎖インフォーム α -E プレプロタンパク
α -ミクログロブリン/ビクニン前駆体
レチノール結合タンパク4、血清前駆体 (NP_006735)
セリン(またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター、クレード A、(α -1 抗プロテイナーゼ、抗トリプシン)、メンバー-1 (NP_000286)
フィブリノゲン、B β ポリペプチド
アポリポタンパク B (Ag(x) 抗原を含む)
フィブリノゲン、 α 鎖インフォーム α -E プレプロタンパク
デルムシジン
システイン A (ステフィン A)
アグレカン 1 (コンドロイチン硫酸プロテオグリカン 1、大きな集合体のプロテオグリカン、モノクローナル抗体A0122によって同定される抗原)

(B)

ハプトグロビン
セリン(またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター、クレード A、メンバー-S前駆体 (NP_001076)
セリン(またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター、クレード A、メンバー-S前駆体 (NP_001076)
インター α (グロブリン) インヒビター H2
補体コンポーネント3
α -2-マクログロブリン
α -2-マクログロブリン

Figure 7

【図 8 B】

スライ	gld	名 称	P-値 (E-N)
5	11761631	フィブリノゲン、B β ポリペプチド	0.000
3	4503715	フィブリノゲン、 γ 鎖インフォーム γ -A 前駆体	0.000
2	4504375	H 因子 1 (補体)	0.000
3	4557225	α -2-マクログロブリン	0.000
3	4557385	補体コンポーネント3	0.000
5	4557225	α -2-マクログロブリン	0.000
6	4557325	アポリポタンパク E	0.001
3	4502397	B-因子、プロパージン	0.001
8	4826762	ハプトグロビン	0.001
3	4557379	セリン(またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター、クレードG(C11 インドーター)、メンバー-1、(血清性未定、遺伝性)	0.001
6	4557871	トランスフェリン	0.001
8	4557871	トランスフェリン	0.001
5	4557327	アポリポタンパク H (β -2-糖タンパク I)	0.001
9	4557385	補体コンポーネント3	0.001
3	4505861	セリン(またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター、クレードA (α -1 抗プロテイナーゼ、抗トリプシン)、メンバー-1 (NP_001002236)	0.001
6	50363221	アポリポタンパク A-IV	0.001
6	50345296	補体コンポーネント4B プレプロタンパク (NP_001002029)	0.002
6	4503689	フィブリノゲン、 α 鎖インフォーム α -E プレプロタンパク	0.002
3	4501987	アファミン	0.002
6	4502067	α -1-ミクログロブリン/ビクニン前駆体	0.002
9	51476113	予測: アポリポタンパク C-II 前駆体 (Apo-CII) に類似 (XP_496537)	0.002
8	4826762	ハプトグロビン	0.002
6	42740907	クラスティン(補体溶解インヒビター、SP-40,40、硫酸化糖タンパク2、テストステロン抑制剤立脚メッセジ2、アポリポロチン J)	0.003
5	4505529	オロソムコイド 2	0.003
8	55743122	セリン(またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター、クレードA、 α -1 抗プロテイナーゼ、アンチトリプシン)、メンバー-1 (NP_0002286)	0.003
8	50363217	予測: アポリポタンパク A-I 前駆体 (Apo-AI) に類似 (XP_496536)	0.003
5	51476111	予測: アポリポタンパク A-I 前駆体 (Apo-AI) に類似 (XP_496536)	0.004
5	4502005	α -2-HS-糖タンパク	0.004
6	4503715	フィブリノゲン、 γ 鎖インフォーム γ -A 前駆体	0.004
6	11761631	フィブリノゲン、B β ポリペプチド	0.005
2	4502153	アポリポタンパク B (Ag(x) 抗原を含む)	0.005
7	11038662	補体コンポーネント1、Q サブコンポーネント、 β ポリペプチド	0.005
3	4502153	アポリポタンパク B (Ag(x) 抗原を含む)	0.005
3	4505047	ルミカン	0.006
6	16933542	フィブロネクチン1インフォーム3プレプロタンパク	0.007
9	4503889	フィブリノゲン、 α 鎖インフォーム α -E プレプロタンパク	0.008
8	4503889	フィブリノゲン、 α 鎖インフォーム α -E プレプロタンパク	0.009
8	4557383	補体コンポーネント8、 γ ポリペプチド	0.009
2	4504781	インター α (グロブリン) インヒビター H1	0.010
8	4557485	セルロブラスミン (フェロキシダーゼ)	0.010
2	9995994	アグレカン 1 (コンドロイチン硫酸プロテオグリカン 1、大きな集合体のプロテオグリカン、モノクローナル抗体A0122によって同定される抗原)	0.010
9	16761921	デルムシジン	0.011

Figure 8(B)

【図 8 C】

スライス	gid	名 称	P-値 (E-N)
9	4885185	シスチン A (ステフィンA)	0.011
9	4504351	ヘモグロビン、 δ	0.012
3	6995994	アグレカ 1 (コンドロイチン硫酸プロテオグリカン 1、大きな集合体の	0.012
9	55958899	プロテオグリカン、モノクローナル抗体A0122によって測定される抗原)	0.013
3	47132820	セラチン 9 (NP_000217)	0.014
3	40354192	セラチン 2A (Siemens の表皮水疱性角化症)	0.014
9	17318569	セラチン 10 (表皮剥離性角質増殖：掌跖角化症)	0.014
3	40354192	セラチン 10 (表皮剥離性角質増殖：掌跖角化症)	0.016
2	4567225	α -ミクログロブリン	0.017
2	31542384	インター- α (グロブリン)インヒビター H4 (血液カリクレイン感受性タンパク)	0.017
2	4504783	インター- α (グロブリン)インヒビター H2	0.018
7	4557385	補体コンポーネント 3	0.018
3	4504783	インター- α (グロブリン)インヒビター H2	0.020
6	4502163	フィブリノゲン、 α 鎖イソフォーム α -E プレプロタンパク	0.021
1	4503689	フィブリノゲン、 α 鎖イソフォーム α -E プレプロタンパク	0.022
8	4504349	ヘモグロビン、 β	0.022
3	38018947	補体コンポーネント 5	0.022
8	11761631	フィブリノゲン、 β 鎖ポリペプチド	0.022
3	4503635	凝周因子 II (トロンビン)	0.022
6	11038962	補体コンポーネント 1、 α サブコンポーネント、 β ポリペプチド	0.022
6	4557485	セルロブラスミン (フェロキシダーゼ)	0.024
1	11761633	フィブリノゲン、 γ 鎖イソフォーム γ -B 前駆体	0.026
8	32483410	グルーブ特異的コンポーネント (ビタミンD結合タンパク)	0.026
8	10835095	血清アミロイドA4、糖鎖性	0.028
3	4502067	α -1ミクログロブリン/ビクニン前駆体	0.029
8	19923106	パラオクソナゼ 1	0.029
8	4502501	補体コンポーネント 4A	0.031
1	4557225	α -ミクログロブリン	0.033
5	14577819	補体コンポーネント 4A	0.039
6	4504579	I 因子 (補体)	0.039
2	14577819	補体コンポーネント 4A	0.039
8	4557890	セラチン 4	0.041
3	4557890	セラチン 4	0.041
1	24430192	セラチン 16 (局所の非表皮性掌跖角化症)	0.041
6	24430192	セラチン 16 (局所の非表皮性掌跖角化症)	0.043
9	15431310	セラチン 14 (単純型先天性表皮水疱症、Dowling-Meara, Koebner)	0.043
2	47132620	セラチン 2A (Siemens の表皮水疱性角化症)	0.043
5	39729934	セリン(またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター、グレードF (α -2 抗プラスミン	0.043
2	40354192	色素上皮増殖因子)、メンバー 1	0.043
2	55958899	セラチン 10 (表皮剥離性角質増殖：掌跖角化症)	0.045
6	55958899	セラチン 9 (NP_000217)	0.045
9	5031925	プロテオグリカン 4 (巨核球誘導因子、関節の表面領域 (superficial zone) タンパク質	0.047
9	47132620	セラチン 2A (Siemens の表皮水疱性角化症)	0.047

Figure 8(C)

【図 9 A】

スライス	gid	名 称	3つのLOA 外れ値なし での P値 (L-N)
5	4567385	補体コンポーネント 3	0.000
6	4557871	トランスフェリン	0.000
3	4557485	セルロブラスミン (フェロキシダーゼ)	0.000
7	51476111	予備：アポリポタンパク A-I 前駆体 (Apo-AI) に類似 (XP_496536)	0.000
8	4557385	補体コンポーネント 3	0.000
6	50345296	補体コンポーネント 4B プレプロタンパク (NP_001002029)	0.000
6	4502067	α -1ミクログロブリン/ビクニン前駆体	0.000
5	4557327	アポリポタンパク H (β -2-糖タンパク 1)	0.000
5	32483410	グルーブ特異的コンポーネント (ビタミンD結合タンパク)	0.000
6	4503689	フィブリノゲン、 α 鎖イソフォーム α -E プレプロタンパク	0.000
6	4557325	アポリポタンパク E	0.000
6	4502027	アルブミン	0.000
5	9257232	オロソムコド 1	0.000
5	11761631	フィブリノゲン、 β 鎖ポリペプチド	0.000
3	4557385	補体コンポーネント 3	0.000
2	4504375	I 因子 1 (補体)	0.000
8	4826762	ハプトグロビン	0.000
5	50363219	セリン(またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター、グレードA、(α -1 抗プロテイナーゼ、	0.000
5	4826762	抗トリプシン)、メンバー 1 (NP_001002236)	0.000
8	4557485	ハプトグロビン	0.000
8	55743122	レチノール結合タンパク 4、血液凝固因子 (NP_006735)	0.000
5	4557225	α -ミクログロブリン	0.000
3	6995994	アグレカ 1 (コンドロイチン硫酸プロテオグリカン 1、大きな集合体の	0.000
6	11761631	フィブリノゲン、 β 鎖ポリペプチド	0.000
9	4885185	シスチン A (ステフィンA)	0.000
3	4503715	フィブリノゲン、 γ 鎖イソフォーム γ -A 前駆体	0.000
8	4557871	トランスフェリン	0.000
5	4502027	アルブミン	0.000
7	11038662	補体コンポーネント 1、 α サブコンポーネント、 β ポリペプチド	0.000
9	16751921	デルムシジン	0.000
2	4502153	アポリポタンパク B (Ag(x) 抗原を含む)	0.000
6	16933542	フィブロネクチン1イソフォーム 3 プレプロタンパク	0.000
8	5036899	フィブリノゲン、 α 鎖イソフォーム α -E プレプロタンパク	0.000
8	4557485	セルロブラスミン (フェロキシダーゼ)	0.000
3	47132557	フィブロネクチン1イソフォーム 1 プレプロタンパク	0.000
9	40354192	セラチン 10 (表皮剥離性角質増殖：掌跖角化症)	0.000
9	17318569	セラチン 1 (表皮剥離性角質増殖)	0.000
8	50363217	抗トリプシン、メンバー 1 (NP_000286)	0.000
7	4502027	アルブミン	0.000
5	4557871	トランスフェリン	0.000
8	4502027	アルブミン	0.000
9	51476113	予備：アポリポタンパク C-III 前駆体 (Apo-CIII) に類似 (XP_496537)	0.000

Figure 9(A)

【図 9 B】

スライス	gid	名 称	3つのLOA 外れ値なし での P値 (L-N)
6	50369080	セリン(またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター、グレードA、メンバー 3 前駆体	0.000
3	47132620	セラチン 2A (Siemens の表皮水疱性角化症)	0.000
6	4826762	ハプトグロビン	0.000
3	4557871	トランスフェリン	0.001
6	50363221	セリン(またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター、グレードA、(α -1 抗プロテイナーゼ、	0.001
6	4503715	抗トリプシン)、メンバー 1 (NP_001002236)	0.001
3	4505881	フィブリノゲン、 γ 鎖イソフォーム γ -A 前駆体	0.001
3	4501967	ブラスミンノーゼ	0.001
9	4562762	アルブミン	0.001
9	4562762	ハプトグロビン	0.001
5	4502151	アポリポタンパク A-IV	0.001
9	55958899	セラチン 9 (NP_000217)	0.001
2	4504781	セラチン 10 (表皮剥離性角質増殖：掌跖角化症)	0.002
8	51476111	インター- α (グロブリン)インヒビター H1	0.002
7	4557225	予備：アポリポタンパク A-I 前駆体 (Apo-AI) に類似 (XP_496536)	0.002
6	42740907	α -ミクログロブリン	0.002
3	4505047	クラスチリン (補体溶解性インヒビター、SP-40,40、塩酸化タンパク質、	0.002
4	4502027	テストステロン和糖質立脚メッセジ 2、アポリポタンパク J)	0.002
6	4557225	ルミカン	0.004
6	4502027	アルブミン	0.004
2	4557225	α -ミクログロブリン	0.004
3	4557379	セリン(またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター、グレードG (Cインヒビター)、メンバー 1、	0.004
9	47132620	セラチン 2A (Siemens の表皮水疱性角化症)	0.004
9	4504351	ヘモグロビン、 δ	0.004
3	4504783	インター- α (グロブリン)インヒビター H2	0.004
9	4557385	補体コンポーネント 3	0.006
3	4502153	アポリポタンパク B (Ag(x) 抗原を含む)	0.006
6	16933542	フィブロネクチン1イソフォーム 3 プレプロタンパク	0.006
1	11761633	フィブリノゲン、 γ 鎖イソフォーム γ -B 前駆体	0.006
2	6995994	アグレカ 1 (コンドロイチン硫酸プロテオグリカン 1、大きな集合体の	0.006
3	4502397	プロテオグリカン、モノクローナル抗体A0122によって測定される抗原)	0.006
6	4502163	B-因子、プロバージン	0.008
3	4557225	アポリポタンパク D	0.009
2	4504783	α -ミクログロブリン	0.009
2	55958899	セラチン 9 (NP_000217)	0.011
5	55958899	セラチン 9 (NP_000217)	0.011
9	47132551	フィブロネクチン1イソフォーム 2 プレプロタンパク	0.012
6	4502153	アポリポタンパク B (Ag(x) 抗原を含む)	0.013
8	11761631	フィブリノゲン、 β 鎖ポリペプチド	0.013
3	4503635	凝周因子 II (トロンビン)	0.013
6	11038962	補体コンポーネント 1、 α サブコンポーネント、 β ポリペプチド	0.013
6	4557485	セルロブラスミン (フェロキシダーゼ)	0.013
1	4557225	α -ミクログロブリン	0.013
14	5577919	補体コンポーネント 4A	0.013

Figure 9(B)

【図 9 C】

スライス	gid	名 称	3つのLOA 外れ値なし での P値 (L-N)
9	4507725	トランスサイレチン (プレアルブミン、I 型アミロイドーシス)	0.013
5	4502005	α -2-HS-糖タンパク	0.013
8	4557393	補体コンポーネント 8、 γ ポリペプチド	0.015
6	47132620	セラチン 2A (Siemens の表皮水疱性角化症)	0.016
2	47132555	フィブロネクチン1イソフォーム 4 プレプロタンパク	0.017
1	4503689	フィブリノゲン、 α 鎖イソフォーム α -E プレプロタンパク	0.017
5	39725934	セリン(またはシステイン)プロテイナーゼインヒビター、グレードF (α -2 抗プラスミン	0.019
2	31542984	色素上皮増殖因子)、メンバー 1	0.019
9	4503689	フィブリノゲン、 α 鎖イソフォーム α -E プレプロタンパク	0.020
8	4557225	α -ミクログロブリン	0.021
5	4505529	オロソムコド 2	0.024
7	40354192	セラチン 10 (表皮剥離性角質増殖：掌跖角化症)	0.024
7	4557385	補体コンポーネント 3	0.025
8	4507567	ネトラクチン (プラスミンノーゲン 結合タンパク質)	0.025
9	24430192	セラチン 16 (局所の非表皮性掌跖角化症)	0.025
8	10835095	血清アミロイドA4、糖鎖性	0.025
5	4504489	ヒスタジンに富んだ糖タンパク	0.027
4	21071030	α -1-白糖タンパク	0.028
5	47132549	フィブロネクチン1イソフォーム 6 プレプロタンパク	0.028
9	4504781	インター- α (グロブリン)インヒビター H1	0.028
8	4504783	インター- α (グロブリン)インヒビター H2	0.028
8	32483410	グルーブ特異的コンポーネント (ビタミンD結合タンパク)	0.028
3	4502067	α -1ミクログロブリン/ビクニン前駆体	0.028
2	4557225	α -ミクログロブリン	0.028
9	15431310	セラチン 14 (単純型先天性表皮水疱症、Dowling-Meara, Koebner)	0.035
9	5031925	プロテオグリカン 4 (巨核球誘導因子、関節の表面領域 タンパク質)	0.038
1	24430192	セラチン 16 (局所の非表皮性掌跖角化症)	0.042
1	55958899	セラチン 9 (NP_000217)	0.043
3	4502493	補体コンポーネント 1、 α サブコンポーネント	0.045
8	4507725	トランスサイレチン (プレアルブミン、アミロイドーシス型)	0.045
2	40354192	セラチン 10 (表皮剥離性角質増殖：掌跖角化症)	0.045
9	51472914	予備：K1AA1501 タンパク質に類似 (XP_370973)	0.045
6	4505047	ルミカン	0.046
3	55958899	セラチン 9 (NP_000217)	0.046
8	4557890	セラチン 4	0.048
3	4557890	セラチン 4	0.048
6	4502397	B-因子、プロバージン	0.049

Figure 9(C)

【 図 1 0 B 】

A	B	C	D	E	E 名称	P 係数 (E/N)	AmE (L/N)	AmL (L/N)	L 係数 (L/E)	AmE (E/L)	AmL (E/L)	AVE(L) (E/L)
81	178	5	5903258	100102000	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	583.258	0.000	111.26	0.265	186.109	0.000
82	177	14	6	4509386	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	4507.26	0.000	0.000	-513.04	0.000	1730.27
83	176	6	4509386	アノキアノキ・アノキアノキ	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	4507.26	0.000	964.02	24.81	178.479	0.000
84	192	20	6	4509387	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	744.625	0.000	923.104	0.000	0.000	75.44
85	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
86	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
87	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
88	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
89	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
90	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
91	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
92	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
93	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
94	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
95	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
96	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
97	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
98	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
99	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
100	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
101	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
102	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
103	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
104	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
105	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
106	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
107	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
108	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
109	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
110	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
111	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
112	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
113	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
114	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
115	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
116	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
117	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
118	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
119	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
120	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
121	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
122	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
123	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
124	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
125	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
126	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
127	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
128	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
129	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
130	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
131	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
132	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
133	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
134	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
135	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
136	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
137	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
138	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
139	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
140	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
141	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
142	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
143	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
144	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
145	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
146	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
147	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
148	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
149	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
150	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
151	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
152	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
153	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
154	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
155	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
156	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
157	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
158	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
159	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
160	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
161	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
162	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
163	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
164	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
165	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
166	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
167	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
168	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
169	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0.000	778.87	0.000	723.71	0.5731	-55.698	0.000
170	208	14	8	5515122	アノキアノキ・アノキアノキ	0						

Figure 10(B)

【 図 1 2 】

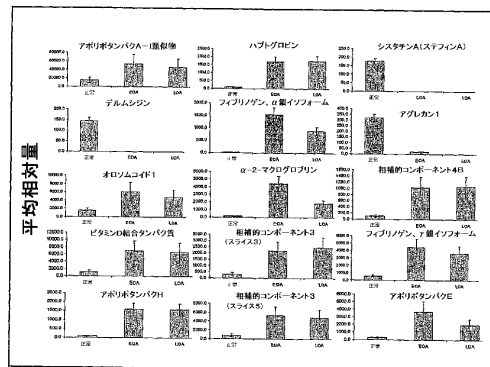


Figure 12

【図 13】

タンパク質の同定	野生型タンパク質の感受性	初期OAタンパク質の感受性	末期OAタンパク質の感受性	野生型タンパク質の特異性	初期OAタンパク質の特異性	末期OAタンパク質の特異性
予測： アポリポタンパク A-I 前駆体 (Apo-AI) に類似 (XP_496536)	0.718	0.957	0.889	0.950	0.900	0.850
グループ特異的コンポーネント (ビタミンD結合タンパク質)	0.744	0.810	0.889	1.000	0.850	0.850
相補的コンポーネントS	0.744	0.857	0.944	1.000	0.900	0.900
オロソノコイド1	0.887	0.810	0.833	0.850	0.850	0.800
フィブリノゲン、 γ 鎖イソフォーム γ-A 前駆体	0.744	0.857	0.633	1.000	0.900	0.800
相補的コンポーネントS	0.718	0.810	0.889	0.950	0.850	0.850
α-2-マクログロブリン	0.718	0.810	0.778	0.950	0.850	0.750
アポリポタンパク E	0.744	0.952	0.889	1.000	1.000	0.850
ハプトグロビン	0.718	0.810	0.889	0.950	0.850	0.850
アポリポタンパク H (β-2-微タンパク I)	0.744	0.857	0.889	1.000	0.900	0.850
相補的コンポーネント 4B プレプロタンパク (NP_00102029)	0.744	0.810	0.889	1.000	0.850	0.850
フィブリノゲン、 α 鎖イソフォーム α-E	0.718	0.857	0.833	0.950	0.900	0.850
プロプレタンパク	1.000	1.000	1.000	0.600	0.600	0.600
デルムシジン	1.000	1.000	1.000	0.650	0.650	0.650
システチンA (ステフィン A)	1.000	1.000	1.000	0.650	0.650	0.650
アグレカン 1 (コンドロイチン硫酸 プロテオグリカン1、 大きな集合体のプロテオグリカン、 モノクローナル抗体A0122 によって同定される抗原)	0.974	0.952	1.000	0.650	0.650	0.650

Figure 13

【 国際調査報告 】

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER INV. G01N33/92 G01N33/68 C12Q1/68		International application No PCT/US2006/023619
According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC		
B. FIELDS SEARCHED		
Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols) G01N C12Q		
Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched		
Electronic data base consulted during the International search (name of data base and, where practical, search terms used) EPO-Internal, BIOSIS, WPI Data, PAJ		
C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		
Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	WO 02/070737 A2 (CHONDROGENE INC [CA]; LIEW CHOONG-CHIN [CA]; MARSHALL WAYNE E [CA]; ZH) 12 September 2002 (2002-09-12) abstract, p. 17, example, claims 36 - 45, Fig. 4, -----	1-41
A	US 2003/224989 A1 (QUINN KERRY [US] ET AL) 4 December 2003 (2003-12-04) p. 6 - 12, paragraphs [0246]- [0247], [0284]-[0298] ----- -/--	
<input checked="" type="checkbox"/> Further documents are listed in the continuation of Box C. <input checked="" type="checkbox"/> See patent family annex.		
* Special categories of cited documents : "A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance "E" earlier document but published on or after the International filing date "L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified) "O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means "P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed "T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention "X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone "Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art. "&" document member of the same patent family		
Date of the actual completion of the international search 24 November 2006		Date of mailing of the international search report 01. 03. 2007
Name and mailing address of the ISA/ European Patent Office, P.B. 6918 Patentlaan 2 NL - 2280 HV Rijswijk Tel: (+31-70) 340-2040, Tx. 31 661 epo nl, Fax: (+31-70) 340-3016		Authorized officer Hoesel, Heidi

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No

PCT/US2006/023619

C(Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		
Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
A	ZHANG H ET AL: "Microarray analysis reveals the involvement of beta-2 microglobulin (B2M) in human osteoarthritis." OSTEOARTHRITIS AND CARTILAGE / OARS, OSTEOARTHRITIS RESEARCH SOCIETY. DEC 2002, vol. 10, no. 12, December 2002 (2002-12), pages 950-960, XP002407876 ISSN: 1063-4584 abstract, p. 955, col. 1, paragraph 1, p. 959, col. 1, last complete paragraph -----	1-41
X	WO 94/09155 A (UNIV DUKE [US]; ROSES ALLEN D [US]; STRITTMATTER WARREN J [US]; SALVES) 28 April 1994 (1994-04-28) page 11, line 1 - line 35; claims 1-4,8,9 -----	20,21, 28-35
X	GERARD HERVE C ET AL: "Frequency of apolipoprotein E (APOE) allele types in patients with Chlamydia-associated arthritis and other arthritides" MICROBIAL PATHOGENESIS, vol. 26, no. 1, January 1999 (1999-01), pages 35-43, XP002407877 ISSN: 0882-4010 page 41 -----	20,21

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.
PCT/US2006/023619**Box II Observations where certain claims were found unsearchable (Continuation of item 2 of first sheet)**

This International Search Report has not been established in respect of certain claims under Article 17(2)(a) for the following reasons:

1. ☒ Claims Nos.: 35-38 (with respect to IA); 24-27, 39, 40, 41
because they relate to subject matter not required to be searched by this Authority, namely:
see FURTHER INFORMATION sheet PCT/ISA/210
2. ☒ Claims Nos.: 39-41
because they relate to parts of the International Application that do not comply with the prescribed requirements to such an extent that no meaningful International Search can be carried out, specifically:
see FURTHER INFORMATION sheet PCT/ISA/210
3. ☐ Claims Nos.:
because they are dependent claims and are not drafted in accordance with the second and third sentences of Rule 6.4(a).

Box III Observations where unity of invention is lacking (Continuation of item 3 of first sheet)

This International Searching Authority found multiple inventions in this international application, as follows:

see additional sheet

1. ☐ As all required additional search fees were timely paid by the applicant, this International Search Report covers all searchable claims.
2. ☐ As all searchable claims could be searched without effort justifying an additional fee, this Authority did not invite payment of any additional fee.
3. ☐ As only some of the required additional search fees were timely paid by the applicant, this International Search Report covers only those claims for which fees were paid, specifically claims Nos.:
4. ☒ No required additional search fees were timely paid by the applicant. Consequently, this International Search Report is restricted to the invention first mentioned in the claims; it is covered by claims Nos.:
1-41 (all in part)

Remark on Protest

- ☐ The additional search fees were accompanied by the applicant's protest.
- ☐ No protest accompanied the payment of additional search fees.

International Application No. PCT/US2006/023619

FURTHER INFORMATION CONTINUED FROM PCT/ISA/ 210

Continuation of Box II.1

In the present wording, claims 35 - 38 pertain to a screening method carried out on the human body. Such subject-matter is considered by this Authority to be covered by the provisions of Rule 67.1(iv) PCT. Consequently, no opinion will be formulated with respect to the industrial applicability of the subject-matter of these claims (Article 34(4)(a)(I) PCT).

Continuation of Box II.1

Claims Nos.: 35-38 (with respect to IA); 24-27, 39,40,41

Rule 39.1(v) PCT - Presentation of information

Continuation of Box II.2

Claims Nos.: 39-41

Present claims 39 - 41 pertain to compounds (and their uses) that are defined only by their desired function, contrary to the requirements of clarity of Article 6 PCT. The functional of definition does not allow to derive structural motifs essential for achieving the desired activity and thus does not allow the scope of the claim to be ascertained. The fact that any compound could be screened does not overcome this objection, as the skilled person would not have knowledge beforehand as to whether it would fall within the scope claimed. Undue experimentation would be required to screen compounds randomly. In the absence of a disclosure of actual OA therapeutic agents, this non-compliance with the substantive provisions is to such an extent, that a meaningful search could not be carried out for said claims.

The applicant's attention is drawn to the fact that claims relating to inventions in respect of which no international search report has been established need not be the subject of an international preliminary examination (Rule 66.1(e) PCT). The applicant is advised that the EPO policy when acting as an International Preliminary Examining Authority is normally not to carry out a preliminary examination on matter which has not been searched. This is the case irrespective of whether or not the claims are amended following receipt of the search report or during any Chapter II procedure. If the application proceeds into the regional phase before the EPO, the applicant is reminded that a search may be carried out during examination before the EPO (see EPO Guideline C-VI, 8.5), should the problems which led to the Article 17(2) declaration be overcome.

International Application No. PCT/US2006/023619

FURTHER INFORMATION CONTINUED FROM PCT/ISA/ 210

This International Searching Authority found multiple (groups of) inventions in this international application, as follows:

Invention 1: claims 1-41 (all in part)

marker suitable alone or in combination for the diagnosis of osteoarthritis ("OA"), diagnostic and screening methods based on its determination, as diagnostic means adapted for its detection, wherein the or the primary marker is apolipoprotein E (fig. 1)

Inventions 2-22: claims 1-41 (all in part)

dito, wherein the or the marker is (2) complement component 3; (3) is a fibrinogen polypeptide (4) afamin ..., (8) an orosomucoid, ..., (19) an inter-alpha globulin inhibitor H, ..., or (22) B-factor (all markers presented in fig.1)

Inventions 23-29: claims 1-41 (all in part)

dito, wherein the marker is (23) apolipoprotein H, (24) is haptoglobulin, (25) beta -1-microglobulin, (26) complement 1q, (27) haptoglobulin-related protein, (28) serine protease inhibitor clade A, meber 3 or (29) lumican (additional markers of fig. 2)

Inventions 30-34: claims 1-41 (all in part)

dito, wherein the marker is (30) paraoxonase 1, (31) a keratin, (32) aggrecan 1, (33) gelosin or (34) is albumin (markers presented for the first tim in fig. 3 - 5)

Inventions 35-38: claims 1-41 (all in part)

dito, wherein the marker is (35) complement component 4B, (36) retinol binding protein, (37) dermicidin or (38) cystatin A (OA markers additionally presented in fig. 7)

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

Information on patent family members

International application No

PCT/US2006/023619

107/032000/025019

Patent document cited in search report		Publication date	Patent family member(s)	Publication date
WO 02070737	A2	12-09-2002	AU 2002237124 A2	19-09-2002
			BR 0207657 A	26-10-2004
			CA 2439504 A1	12-09-2002
			EP 1404868 A2	07-04-2004
			JP 2004536575 T	09-12-2004
US 2003224989	A1	04-12-2003	NONE	
WO 9409155	A	28-04-1994	AT 262592 T	15-04-2004
			AU 677614 B2	01-05-1997
			AU 5350094 A	09-05-1994
			CA 2142300 A1	28-04-1994
			CN 1092525 A	21-09-1994
			CN 1525168 A	01-09-2004
			DE 69333461 D1	29-04-2004
			DE 69333461 T2	24-03-2005
			DE 625212 T1	02-11-2000
			EP 0625212 A1	23-11-1994
			ES 2148116 T1	16-10-2000
			FI 951701 A	10-04-1995
			JP 3265577 B2	11-03-2002
			JP 7502418 T	16-03-1995
			NO 951383 A	07-04-1995
			NZ 257215 A	20-12-1996
			US 5508167 A	16-04-1996

フロントページの続き

(51)Int.Cl.		F I	テーマコード (参考)
A 6 1 P 43/00 (2006.01)		A 6 1 P 43/00 1 1 1	
A 6 1 P 19/02 (2006.01)		A 6 1 P 19/02	
G 0 1 N 33/50 (2006.01)		G 0 1 N 33/53 M	
G 0 1 N 33/15 (2006.01)		G 0 1 N 33/50 Z	
C 0 7 K 16/18 (2006.01)		G 0 1 N 33/15 Z	
		C 0 7 K 16/18	

(81)指定国 AP(BW, GH, GM, KE, LS, MW, MZ, NA, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), EA(AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), EP(AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, HU, IE, IS, IT, LT, LU, LV, MC, NL, PL, PT, RO, SE, SI, SK, TR), OA(BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG), AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BW, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK, DM, DZ, EC, EE, EG, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KM, KN, KP, KR, KZ, LA, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, LY, MA, MD, MG, MK, MN, MW, MX, MZ, NA, NG, NI, NO, NZ, OM, PG, PH, PL, PT, RO, RS, RU, SC, SD, SE, SG, SK, SL, SM, SY, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VC, VN, ZA, ZM, ZW

(72)発明者 ミレット, ピーター ジェイ.
アメリカ合衆国 コロラド 8 1 6 3 2, エドワーズ, ジューン クリーク ロード 4 4 0
, ピー.オー.ボックス 4 5 3 2

(72)発明者 サラシーノ, デイビッド エー.
アメリカ合衆国 マサチューセッツ 0 1 8 1 0, アンダーバー, ハーバード ロード 1 7

(72)発明者 クラスティンス, ブライアン
アメリカ合衆国 マサチューセッツ 0 2 1 4 0, ケンブリッジ, ウォールデン ストリート
2 2 5, アpartment 4ディー

(72)発明者 ゴベジー, ルーベン
アメリカ合衆国 オハイオ 4 4 1 0 6, クリーブランド ハイッ, フェアマウント ブール
バード 2 5 3 0

F ターム(参考) 2G045 AA34 CA25 CB03 CB30 DA13 DA36 FB02 FB03
4B024 AA01 AA11 CA12 HA14
4B063 QA05 QA18 QA19 QQ03 QQ08 QQ53 QQ79 QR08 QR32 QR56
QR62 QR69 QR77 QS24 QS25 QS34 QX02
4C084 AA17 NA14 ZA961 ZC022
4H045 AA11 AA20 AA30 BA10 CA40 DA76 EA50 FA72 GA26