

19



OFICINA ESPAÑOLA DE
PATENTES Y MARCAS

ESPAÑA



11 Número de publicación: **2 534 045**

51 Int. Cl.:

C12N 15/113 (2010.01)

A61K 31/713 (2006.01)

12

TRADUCCIÓN DE PATENTE EUROPEA

T3

96 Fecha de presentación y número de la solicitud europea: **20.02.2003** **E 10008929 (1)**

97 Fecha y número de publicación de la concesión europea: **07.01.2015** **EP 2287305**

54 Título: **Inhibición mediada por interferencia de ARN de expresión génica usando ácido nucleico de interferencia corto (ANic)**

30 Prioridad:

20.02.2002 US 358580 P
11.03.2002 US 363124 P
06.06.2002 US 386782 P
29.08.2002 US 406784 P
05.09.2002 US 408378 P
09.09.2002 US 409293 P
15.01.2003 US 440129 P

45 Fecha de publicación y mención en BOPI de la traducción de la patente:
16.04.2015

73 Titular/es:

SIRNA THERAPEUTICS, INC. (100.0%)
300 Third Street
Cambridge MA 02142 , US

72 Inventor/es:

MCSWIGGEN, JAMES;
BEIGELMAN, LEONID;
CHOWRIRA, BHARAT;
PAVCO, PAMELA;
FOSNAUGH, KATHY;
JAMISON, SHARON;
USMAN, NASSIM y
THOMPSON, JAMES

74 Agente/Representante:

CARPINTERO LÓPEZ, Mario

Observaciones :

Véase nota informativa (Remarks) en el folleto original publicado por la Oficina Europea de Patentes

ES 2 534 045 T3

Aviso: En el plazo de nueve meses a contar desde la fecha de publicación en el Boletín europeo de patentes, de la mención de concesión de la patente europea, cualquier persona podrá oponerse ante la Oficina Europea de Patentes a la patente concedida. La oposición deberá formularse por escrito y estar motivada; sólo se considerará como formulada una vez que se haya realizado el pago de la tasa de oposición (art. 99.1 del Convenio sobre concesión de Patentes Europeas).

DESCRIPCIÓN

Inhibición mediada por interferencia de ARN de expresión génica usando ácido nucleico de interferencia corto (ANic)

La presente invención reivindica el beneficio de los documentos USSN 60/358.580 de Beigelman presentado el 20 de febrero de 2002, USSN 60/363.124 de Beigelman presentado el 11 de marzo de 2002, USSN 60/386.782 de Beigelman presentado el 6 de junio de 2002, USSN 60/406.784 de Beigelman presentado el 29 de agosto de 2002, USSN 60/408.378 de Beigelman presentado el 5 de septiembre de 2002, USSN 60/409.293 de Beigelman presentado el 9 de septiembre de 2002 y USSN 60/440.129 de Beigelman presentado el 15 de enero de 2003. La totalidad, incluyendo los dibujos, de dichas solicitudes se incorporan en el presente documento por referencia.

Campo de la Invención

La presente invención se refiere a procedimientos y reactivos útiles en la modulación de la expresión génica en una diversidad de aplicaciones, incluyendo su uso en aplicaciones terapéuticas, de diagnóstico, de validación de dianas y descubrimiento genómico. Específicamente, la invención se refiere a moléculas pequeñas de ácido nucleico, tales como moléculas de ácido nucleico de interferencia corto (ANic), ARN de interferencia corto (ARNic), ARN bicatenario (ARNbc), micro-ARN (miARN) y ARN de horquilla corto (ARNhc) capaces de mediar la interferencia de ARN (iARN).

Antecedentes de la invención

Lo siguiente es un análisis de la técnica pertinente que concierne a la iARN. La discusión se proporciona sólo para la comprensión de la siguiente invención. El sumario no es una admisión de que cualquiera de los trabajos descritos más adelante sea de la técnica anterior a la invención reivindicada. En el presente documento el solicitante demuestra que los ácidos nucleicos de interferencia cortos modificados químicamente poseen la misma capacidad para mediar la iARN que las moléculas de ARNic, y se espera que posean una estabilidad y actividad *in vivo* mejoradas; por lo tanto, esta discusión no tiene por objeto limitarse sólo a ARNic y puede aplicarse a ANic de manera general.

La interferencia de ARN se refiere al procedimiento de silenciamiento génico postranscripcional específico de secuencia en animales mediado por los ARN de interferencia cortos (ARNic) (Fire y col., 1998, Nature, 391, 806). El procedimiento correspondiente en plantas se denomina comúnmente silenciamiento génico postranscripcional o silenciamiento de ARN, y también se denomina supresión en hongos. Se piensa que el procedimiento de silenciamiento génico postranscripcional es un mecanismo de defensa celular conservado de forma evolutiva usado para evitar la expresión de genes extraños, y flora y filos diversos lo comparten comúnmente (Fire y col., 1999, Trends Genet., 15, 358). Dicha protección frente a la expresión de genes extraños puede haber evolucionado como respuesta a la producción de ARN bicatenarios (ARNbc) derivados de una infección viral o de la integración aleatoria de elementos transponibles en un genoma huésped mediante una respuesta celular que destruye específicamente ARN monocatenario homólogo o ARN genómico viral. La presencia de ARNbc en células desencadena la respuesta de iARN a través de un mecanismo que aún tiene que caracterizarse completamente. Este mecanismo parece ser diferente de la respuesta de interferón que se produce como resultado de la activación mediada por ARNbc de la proteína quinasa PKR y 2',5'-oligoadenilato sintetasa, dando como resultado una escisión inespecífica del ARNm por la ribonucleasa L.

La presencia de ARNbc largos en células estimula la actividad de una enzima ribonucleasa III denominada Dicer. La Dicer está implicada en el procesamiento de los ARNbc en trozos cortos de ARNbc conocidos como ARN de interferencia cortos (ARNic) (Berstein y col., 2001, Nature, 409, 363). Los ARN de interferencia cortos derivados de la actividad de Dicer típicamente tienen de aproximadamente 21 a aproximadamente 23 nucleótidos de longitud y comprenden dúplex de aproximadamente 19 pares de bases (Elbashir y col., 2001, Genes Dev., 15, 188). También se ha implicado a Dicer en la escisión de ARN temporales pequeños (ARNtp) de 21 y 22 nucleótidos a partir de ARN precursor de estructura conservada que están implicados en el control traduccional (Hutvagner y col., 2001, Science, 293, 834). La respuesta de iARN también presenta un complejo de endonucleasa, denominado comúnmente complejo de silenciamiento inducido por ARN (RISC), que media la escisión de ARN monocatenario que tiene una secuencia complementaria a la cadena antisentido del dúplex de ARNic. La escisión del ARN diana tiene lugar en el centro de la región complementaria a la cadena antisentido del dúplex de ARNic (Elbashir y col., 2001, Genes Dev., 15, 188).

La iARN se ha estudiado en una diversidad de sistemas. Fire y col., 1998, Nature, 391, 806, fueron los primeros en observar la iARN en *C. elegans*. Wianny y Goetz, 1999, Nature Cell Biol., 2, 70, describen la iARN mediada por ARNbc en embriones de ratón. Hammond y col., 2000, Nature, 404, 293, describen la iARN en células de *Drosophila* transfectadas con ARNbc. Elbashir y col., 2001, Nature, 411, 494, describen la iARN inducida introduciendo dúplex de ARN sintéticos de 21 nucleótidos en células de mamífero cultivadas incluyendo células

embrionarias de riñón humano y células HeLa. Trabajos recientes en lisados embrionarios de *Drosophila* (Elbashir y col., 2001, EMBO J., 20, 6877) han revelado determinados requisitos de longitud, estructura, composición química y secuencia de ARNic que son esenciales para mediar una actividad de iARN eficaz. Estos estudios han demostrado que los dúplex de ARNic de 21 nucleótidos son más activos cuando contienen salientes dinucleotídicos 3'-terminales. Además, la sustitución completa de una o ambas cadenas de ARNic con nucleótidos 2'-desoxi (2'-H) o 2'-O-metilo suprime la actividad de iARN, mientras que se demostró que se toleraba la sustitución de los nucleótidos salientes de ARNic 3'-terminales con nucleótidos 2'-desoxi (2'-H). También se demostró que secuencias con un solo emparejamiento erróneo en el centro del dúplex de ARNic suprimía la actividad de iARN. Además, estos estudios también indican que la posición del sitio de escisión en el ARN diana está definida por el extremo 5' de la secuencia guía de ARNic en lugar del extremo 3' de la secuencia guía (Elbashir y col., 2001, EMBO J., 20, 6877). Otros estudios han indicado que es necesario un fosfato 5' en la cadena complementaria diana de un dúplex de ARNic para la actividad del ARNic y que, para mantener el resto fosfato 5' en el ARNic, se utiliza ATP (Nykanen y col., 2001, Cell, 107, 309).

Los estudios han demostrado que la sustitución de los segmentos salientes de nucleótidos 3'-terminales de un dúplex de ARNic de 21 unidades, que tiene salientes 3' de dos nucleótidos, con desoxirribonucleótidos no tiene un efecto adverso sobre la actividad de iARN. Se ha indicado que la sustitución de hasta cuatro nucleótidos en cada extremo del ARNic con desoxirribonucleótidos se tolera bien, mientras que la sustitución completa con desoxirribonucleótidos da como resultado la ausencia de actividad de iARN (Elbashir y col., 2001, EMBO J., 20, 6877). Además, Elbashir y col., anteriormente, también indican que la sustitución de ARNic con nucleótidos 2'-O-metilo suprime completamente la actividad de iARN. Li y col., Publicación Internacional PCT N° WO 00/44914, y Beach y col., Publicación Internacional PCT N° WO 01/68836 sugieren de forma preliminar que el ARNic puede incluir modificaciones en la cadena principal de azúcar-fosfato o en el nucleósido para incluir al menos uno de un heteroátomo de nitrógeno o de azufre, sin embargo, ninguna solicitud postula en qué medida se tolerarían tales modificaciones en moléculas de ARNic, ni proporciona ninguna orientación adicional o ejemplos de dicho ARNic modificado. Kreutzer y col., solicitud de patente canadiense N° 2.359.180, también describen determinadas modificaciones químicas para su uso en construcciones de ARNbc con el fin de contrarrestar la activación de la proteína quinasa PKR dependiente de ARN bicatenario, específicamente nucleótidos 2'-amino o 2'-O-metilo y nucleótidos que contienen un puente de 2'-O- o 4'-C-metileno. Sin embargo, de manera similar, Kreutzer y col. no proporcionan ejemplos u orientaciones con respecto a en qué medida se tolerarían estas modificaciones en moléculas de ARNic.

Parrish y col., 2000, Molecular Cell, 6, 1977-1987, ensayaron determinadas modificaciones químicas dirigidas al gen unc-22 en *C. elegans* usando transcritos largos de ARNic (> 25 nt). Los autores describen la introducción de restos tiofosfato en estos transcritos de ARNic incorporando análogos de nucleótidos tiofosfato con ARN polimerasa de T7 y T3 y observaron que los ARN con dos bases modificadas con fosforotioato tuvieron también disminuciones sustanciales de su eficacia como iARN. Además, Parrish y col., indicaron que la modificación con fosforotioato de más de dos restos desestabilizaba enormemente los ARN *in vitro* de forma que las actividades de interferencia no pudieron ensayarse. Ídem en 1081. Los autores también ensayaron determinadas modificaciones en la posición 2' del azúcar nucleotídico en los transcritos largos de ARNic y encontraron que la sustitución de ribonucleótidos por desoxinucleótidos producía una disminución sustancial en la actividad de interferencia, especialmente en el caso de sustituciones de Uridina a Timidina y/o Citidina a desoxi-Citidina. Ídem. Además, los autores ensayaron determinadas modificaciones de bases, incluyendo la sustitución, en cadenas con sentido y antisentido del ARNic, de uracilo por 4-tiouracilo, 5-bromouracilo, 5-yodouracilo y 3-(aminoalil)uracilo y guanósina por inosina. Mientras que la sustitución con 4-tiouracilo y 5-bromouracilo parecía tolerarse, Parrish indicó que la inosina producía una disminución sustancial en la actividad de interferencia cuando se incorporaba en cualquier cadena. Parrish también indicó que la incorporación de 5-yodouracilo y 3-(aminoalil)uracilo en la cadena antisentido daba como resultado también una disminución sustancial en la actividad de iARN.

Se ha descrito el uso de ARNbc más largos. Por ejemplo, Beach y col., Publicación Internacional PCT N° WO 01/68836, describen procedimientos específicos para atenuar la expresión génica usando ARNbc obtenidos endógenamente. Tuschl y col., Publicación Internacional PCT N° WO 01/75164, describen un sistema de iARN *in vitro* de *Drosophila* y el uso de moléculas de ARNic específicas para determinadas aplicaciones genómicas funcionales y terapéuticas; aunque Tuschl, 2001, Chem. Biochem., 2, 239-245, duda que pueda usarse la ARNi para curar enfermedades genéticas o infecciones virales debido al peligro de activar la respuesta de interferón. Li y col., Publicación Internacional PCT N° WO 00/44914, describen el uso de ARNbc específicos para atenuar la expresión de determinados genes diana. Zemicka-Goetz y col., Publicación Internacional PCT N° WO 01/36646, describen determinados procedimientos para inhibir la expresión de genes particulares en células de mamífero usando determinadas moléculas de ARNbc. Fire y col., Publicación Internacional PCT N° WO 99/32619, describen procedimientos particulares para introducir determinadas moléculas de ARNbc en células para su uso en la inhibición de la expresión génica. Plaetinck y col., Publicación internacional PCT N° WO 00/01846, describen determinados procedimientos para identificar genes específicos responsables de conferir un fenotipo particular a

una célula usando moléculas de ARNbc específicas. Mello y col., Publicación internacional PCT N° WO 01/29058, describen la identificación de genes específicos implicados en la iARN mediada por ARNbc. Deschamps Depaillette y col., Publicación Internacional PCT N° WO 99/07409, describen composiciones específicas que consisten en moléculas de ARNbc particulares combinadas con determinados agentes antivirales. Waterhouse y col., Publicación Internacional PCT N° 99/53050, describen determinados procedimientos para disminuir la expresión fenotípica de un ácido nucleico en células vegetales usando determinados ARNbc. Driscoll y col., Publicación Internacional PCT N° WO 01/49844, describen construcciones de ADN específicas para su uso para facilitar el silenciamiento génico en organismos diana.

Otros autores han indicado diversos sistemas de iARN y silenciamiento génico. Por ejemplo, Parrish y col., 2000, Molecular Cell, 6, 1977-1087, describen construcciones específicas de ARNbc modificados químicamente que se dirigen al gen unc-22 de *C. elegans*. Grossniklaus, Publicación Internacional PCT N° WO 01/38551, describe determinados procedimientos para regular la expresión del gen polycomb en plantas usando determinados ARNbc. Churikov y col., Publicación Internacional PCT N° WO 01/42443, describen determinados procedimientos para modificar las características genéticas de un organismo usando determinados ARNbc. Cogoni y col., Publicación Internacional PCT N° WO 01/53475, describen determinados procedimientos para aislar un gen de silenciamiento de *Neurospora* y usos del mismo. Reed y col., Publicación Internacional PCT N° WO 01/68836, describen determinados procedimientos para el silenciamiento génico en plantas. Honer y col., Publicación Internacional PCT N° WO 01/70944, describen determinados procedimientos de selección de fármacos usando nemátodos transgénicos como modelos de la enfermedad de Parkinson usando determinados ARNbc. Deak y col., Publicación Internacional PCT N° WO 01/72774, describen determinados productos génicos derivados de *Drosophila* que pueden estar relacionados con iARN en *Drosophila*. Arndt y col., Publicación Internacional PCT N° WO 01/92513 describen determinados procedimientos para mediar la supresión génica usando factores que potencian la iARN. Tuschl y col., Publicación Internacional PCT N° WO 02/44321, describen determinadas construcciones de ARNbc sintético. Pachuk y col., Publicación Internacional PCT N° WO 00/63364 y Satishchandran y col., Publicación Internacional PCT N° WO 01/04313, describen determinados procedimientos y composiciones para inhibir la función de determinadas secuencias polinucleotídicas usando determinados ARNbc. Echeverri y col., Publicación Internacional PCT N° WO 02/38805, describen determinados genes de *C. elegans* identificados mediante iARN. Kreutzer y col., Publicaciones Internacionales PCT N° WO 02/055692, WO 02/055693 y el documento EP 1144623 B1 describen determinados procedimientos para inhibir la expresión génica usando iARN. Graham y col., Publicaciones Internacionales PCT N° WO 99/49029 y WO 01/70949 y el documento AU 4037501 describen determinadas moléculas de ARNbc expresadas en vectores. Fire y col., documento US 6.506.559, describen determinados procedimientos para inhibir la expresión génica *in vitro* usando determinadas construcciones largas de ARNbc (con más de 25 nucleótidos) que median la iARN.

Sumario de la invención

La presente invención se refiere a compuestos, composiciones y procedimientos útiles para modular la función del ARN y/o la expresión génica en una célula. Específicamente, la presente invención presenta moléculas sintéticas de ácido nucleico pequeñas como se define en las reivindicaciones, tales como moléculas de ácido nucleico de interferencia corto (ANic), ARN de interferencia corto (ARNic), ARN bicatenario (ARNbc), micro-ARN (miARN) y ARN de horquilla corto (ARNhc) capaces de modular la expresión génica en células mediante interferencia de ARN (iARN). El ARNbc de la presente invención, como se define en las reivindicaciones, puede sintetizarse químicamente, expresarse a partir de un vector o sintetizarse enzimáticamente. El uso de ANic modificado químicamente puede mejorar diversas propiedades de las moléculas de ARNbc nativas a través de una resistencia aumentada a la degradación por nucleasa *in vivo* y/o una captación celular mejorada. Las moléculas ANic modificadas químicamente de la presente invención proporcionan reactivos y procedimientos útiles para una diversidad de aplicaciones terapéuticas, de diagnóstico, agrícolas, de validación de dianas, de descubrimiento genómico, de ingeniería genética y farmacogenómicas.

En un ejemplo no limitante, la introducción de nucleótidos modificados químicamente en moléculas de ácido nucleico proporciona una herramienta poderosa para superar posibles limitaciones de la estabilidad y biodisponibilidad *in vivo* intrínsecas a las moléculas de ARN nativas que se administran de forma exógena. Por ejemplo, el uso de moléculas de ácido nucleico modificadas químicamente puede permitir una dosis menor de una molécula de ácido nucleico particular para un efecto terapéutico dado, ya que las moléculas de ácido nucleico modificadas químicamente tienden a tener una semivida en suero más larga. Además, determinadas modificaciones químicas pueden mejorar la biodisponibilidad de moléculas de ácido nucleico dirigiéndose a células o tejidos particulares y/o mejorando la captación celular de la molécula de ácido nucleico. Por lo tanto, incluso si se reduce la actividad de una molécula de ácido nucleico modificada químicamente en comparación con una molécula de ácido nucleico nativa, por ejemplo, cuando se compara con una molécula de ácido nucleico de ARN completa, la actividad global de la molécula de ácido nucleico modificada puede ser mayor que la de la molécula nativa debido a una estabilidad y/o suministro de la molécula mejorados. A diferencia del ARNbc nativo no modificado, el ANic modificado químicamente también puede minimizar la posibilidad de activar la actividad de

interferón en seres humanos.

Las moléculas de ARNic de la invención pueden diseñarse para inhibir la expresión génica por dirección de iARN de una diversidad de moléculas de ARN. En una realización, las moléculas de ARNic de la invención se usan para dirigir diversos ARN que corresponden a un gen diana. Los ejemplos no limitantes de dichos ARN incluyen ARN mensajero (ARNm), variantes de corte y empalme de ARN alternativas de un gen (o genes) diana, ARN modificado postranscripcionalmente de un gen (o genes) diana, pre-ARNm de un gen (o genes) diana. Si el corte y empalme alternativo produce una familia de transcritos que se distinguen por el uso de exones apropiados, la presente invención puede usarse para inhibir la expresión génica a través de los exones apropiados para inhibir específicamente o para distinguir entre las funciones de los miembros de la familia de genes. Por ejemplo, una proteína que contiene un dominio transmembrana de corte y empalme alternativo puede expresarse en formas tanto unida a membrana como secretada. El uso de la invención para dirigirse al exón que contiene el dominio transmembrana puede usarse para determinar las consecuencias funcionales de la dirección farmacéutica de la forma unida a membrana a diferencia de la forma secretada de la proteína. Los ejemplos no limitantes de aplicaciones de la invención que se refieren a la dirección de estas moléculas de ARN incluyen aplicaciones farmacéuticas terapéuticas, aplicaciones de descubrimiento farmacéutico, aplicaciones de diagnóstico molecular y de función génica y mapeo de genes, por ejemplo, usando el mapeo de polimorfismos de un solo nucleótido con moléculas de ARNic de la invención. Dichas aplicaciones pueden ponerse en práctica usando secuencias génicas conocidas o a partir de secuencias parciales disponibles de una etiqueta de secuencia expresada (EST).

En otra realización, las moléculas de ARNic de la invención se usan para dirigirse a secuencias conservadas que corresponden a una familia de genes o familias de genes. Como tal, puede usarse un ARNic para caracterizar rutas de función génica en una diversidad de aplicaciones. Por ejemplo, la presente invención puede usarse para inhibir la actividad de un gen (o genes) diana en una ruta para determinar la función del gen (o genes) no caracterizado en un análisis de función génica, análisis de función de ARNm o análisis traduccional. La invención puede usarse para determinar posibles rutas de genes diana implicadas en diversas enfermedades y afecciones hacia el desarrollo farmacéutico. La invención puede usarse para entender las rutas de expresión génica implicadas en el desarrollo, tales como en el desarrollo prenatal, desarrollo postnatal y/o envejecimiento.

En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) que regula negativamente la expresión de una familia de genes por interferencia de ARN. La familia de genes puede comprender más de una variante de corte y empalme de un gen diana, más de un ARN modificado postranscripcionalmente de un gen diana o más de un transcrito de ARN que tiene una homología compartida. En una realización, la familia de genes comprende genes del factor de crecimiento epidérmico (por ejemplo, EGFR, tal como HER1, HER2, HER3 y/o HER4), genes del factor de crecimiento endotelial vascular y del receptor del factor de crecimiento endotelial vascular (por ejemplo, VEGF, VEGFR1, VEGFR2 o VEGFR3) o genes virales que corresponden a diferentes cepas virales (por ejemplo, VIH-1 y VIH-2). Dichas familias de genes pueden establecerse analizando secuencias de ácido nucleico (por ejemplo, las secuencias mostradas por los números de acceso de GenBank de la Tabla V) para determinar la homología.

En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) bicatenario, como se define en las reivindicaciones, que regula negativamente la expresión de un gen diana de mamífero endógeno (por ejemplo, un gen humano), en el que la molécula de ANic comprende modificaciones químicas y cada cadena del ANic bicatenario tiene aproximadamente 21 nucleótidos de longitud.

En una realización, una molécula de ANic de la invención no comprende ribonucleótidos. En otra realización, una molécula de ANic de la invención comprende ribonucleótidos.

En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) bicatenario que regula negativamente la expresión de un gen diana de mamífero endógeno (por ejemplo, un gen humano), en la que una de las cadenas de la molécula de ANic bicatenario comprende una secuencia de nucleótidos que es complementaria a una secuencia de nucleótidos del gen diana de mamífero endógeno o una parte del mismo, y en la que la segunda cadena de la molécula de ANic bicatenario comprende una secuencia de nucleótidos sustancialmente similar a la secuencia de nucleótidos del gen diana de mamífero endógeno o una parte del mismo.

En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) bicatenario que regula negativamente la expresión de un gen diana de mamífero endógeno (por ejemplo, un gen humano), en la que cada cadena de la molécula de ANic comprende de aproximadamente 19 a aproximadamente 23 nucleótidos, y en la que cada cadena comprende aproximadamente 19 nucleótidos que son complementarios a los nucleótidos de la otra cadena.

En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) bicatenario que regula negativamente la expresión de un gen diana de mamífero endógeno (por ejemplo, un gen humano), en la que la molécula de ANic comprende una región antisentido que comprende una secuencia de nucleótidos que es

complementaria a una secuencia de nucleótidos del gen diana de mamífero endógeno o a una parte del mismo, y en la que el ANic comprende adicionalmente una región con sentido, en la que la región con sentido comprende una secuencia de nucleótidos sustancialmente similar a la secuencia de nucleótidos del gen diana de mamífero endógeno o a una parte del mismo.

5 En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) bicatenario que regula negativamente la expresión de un gen diana de mamífero endógeno (por ejemplo, un gen humano), en la que cada una de la región antisentido y la región con sentido comprende de aproximadamente 19 a aproximadamente 23 nucleótidos y en la que la región antisentido comprende aproximadamente 19 nucleótidos que son complementarios a nucleótidos de la región con sentido.

10 En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) bicatenario que regula negativamente la expresión de un gen diana de mamífero endógeno (por ejemplo, un gen humano), en la que la molécula de ANic comprende una región con sentido y una región antisentido, y en la que la región antisentido comprende una secuencia de nucleótidos que es complementaria a una secuencia de nucleótidos de ARN codificada por el gen diana de mamífero endógeno o una parte del mismo, y la región con sentido comprende una secuencia de nucleótidos que es complementaria a la región antisentido.

15 En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) bicatenario que regula negativamente la expresión de un gen diana de mamífero endógeno (por ejemplo, un gen humano), en la que la molécula de ANic se ensambla a partir de dos fragmentos oligonucleotídicos distintos, en la que un fragmento comprende la región con sentido y el segundo fragmento comprende la región antisentido de la molécula de ANic. La región con sentido puede conectarse con la región antisentido mediante una molécula de engarce, tal como un engarce polinucleotídico o un engarce no nucleotídico.

20 En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) bicatenario que regula negativamente la expresión de un gen diana de mamífero endógeno (por ejemplo, un gen humano), en la que la molécula de ANic comprende una región con sentido y una región antisentido y en la que la región antisentido comprende una secuencia de nucleótidos que es complementaria a una secuencia de nucleótidos de ARN codificada por el gen diana de mamífero endógeno o una parte del mismo, y la región con sentido comprende una secuencia de nucleótidos que es complementaria a la región antisentido y en la que los nucleótidos de pirimidina en la región con sentido son nucleótidos de 2'-O-metil pirimidina, 2'-desoxi nucleótidos y/o nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina.

25 En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) bicatenario que regula negativamente la expresión de un gen diana de mamífero endógeno (por ejemplo, un gen humano), en la que la molécula de ANic se ensambla a partir de dos fragmentos oligonucleotídicos distintos, en la que un fragmento comprende la región con sentido y el segundo fragmento comprende la región antisentido de la molécula de ANic, y en la que el fragmento que comprende la región con sentido incluye un resto protector terminal en el extremo 5', el extremo 3' o tanto en el extremo 5' como en 3' del fragmento que comprende la región con sentido. En otra realización, el resto protector terminal es un resto abásico desoxi invertido o un resto glicerilo. En otra realización, cada uno de los dos fragmentos de la molécula de ANic comprende 21 nucleótidos.

30 En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) bicatenario que regula negativamente la expresión de un gen diana de mamífero endógeno (por ejemplo, un gen humano), en la que la molécula de ANic comprende una región con sentido y una región antisentido y en la que la región antisentido comprende una secuencia de nucleótidos que es complementaria a una secuencia de nucleótidos de ARN codificada por el gen diana de mamífero endógeno o una parte del mismo, y la región con sentido comprende una secuencia de nucleótidos que es complementaria a la región antisentido y en la que los nucleótidos de purina presentes en la región antisentido, comprenden nucleótidos de 2'-desoxi purina. En otra realización, la región antisentido comprende un enlace internucleotídico de fosforotioato en el extremo 3' de la región antisentido. En otra realización, la región antisentido comprende una modificación con glicerilo en el extremo 3' de la región antisentido.

35 En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) bicatenario que regula negativamente la expresión de un gen diana de mamífero endógeno (por ejemplo, un gen humano), en la que la molécula de ANic se ensambla a partir de dos fragmentos oligonucleotídicos distintos, en la que un fragmento comprende la región con sentido y el segundo fragmento comprende la región antisentido de la molécula de ANic, y en la que aproximadamente 19 nucleótidos de cada fragmento de la molécula de ANic están formando pares de bases con los nucleótidos complementarios del otro fragmento de la molécula de ANic, y en la que al menos dos nucleótidos 3'-terminales de cada fragmento de la molécula de ANic no están formando pares de bases con los nucleótidos del otro fragmento de la molécula de ANic. En otra realización, cada uno de los nucleótidos 3'-terminales de cada fragmento de la molécula de ANic son 2'-desoxi pirimidinas, tales como 2'-desoxi

timidina. En otra realización, los 21 nucleótidos de cada fragmento de la molécula de ANic están formando pares de bases con los nucleótidos complementarios del otro fragmento de la molécula de ANic. En otra realización, aproximadamente 19 nucleótidos de la región antisentido están formando pares de bases con la secuencia de nucleótidos o con una parte de la misma, del ARN codificado por el gen diana de mamífero endógeno. En otra realización, 21 nucleótidos de la región antisentido están formando pares de bases con la secuencia de nucleótidos o con una parte de la misma, del ARN codificado por el gen diana de mamífero endógeno. En otra realización, el extremo 5' del fragmento que comprende dicha región antisentido incluye opcionalmente un grupo fosfato.

En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) bicatenario que inhibe la expresión de una secuencia de ARN diana de mamífero endógena (por ejemplo, en la que un gen humano codifica dicha secuencia de ARN diana), en la que la molécula de ANic no comprende ribonucleótidos y en la que cada cadena de la molécula de ANic bicatenario comprende aproximadamente 21 nucleótidos.

En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) bicatenario que inhibe la expresión de un gen diana de mamífero endógeno (por ejemplo, un gen humano tal como el factor de crecimiento endotelial vascular, el receptor del factor de crecimiento endotelial vascular (tal como, VEGFR1, VEGFR2 o VEGFR3), BCL2, HER2/neu, c-Myc, PCNA, REL-A, PTP1B, BACE, CHK1, PKC-alfa o EGFR), en la que la molécula de ANic no requiere la presencia de un ribonucleótido dentro de la molécula de ANic para dicha inhibición de la expresión de un gen diana de mamífero endógeno y en la que cada cadena de la molécula de ANic bicatenario tiene una longitud de aproximadamente 21 nucleótidos.

En una realización, la invención ofrece un medicamento que comprende una molécula de ANic de la invención.

En una realización, la invención ofrece un principio activo que comprende una molécula de ANic de la invención.

En una realización, la invención ofrece el uso de una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) bicatenario para regular negativamente la expresión de un gen diana de mamífero endógeno, en la que la molécula de ANic comprende una o más modificaciones químicas y cada cadena del ANic bicatenario tiene una longitud de aproximadamente 21 nucleótidos.

En una realización, la molécula (o moléculas) de ARNic y/o los procedimientos de la invención se usan para inhibir la expresión de un gen (o genes) que codifican ARN a los que se hace referencia mediante el número de acceso de GenBank de la **Tabla V**. En otra realización, la molécula (o moléculas) de ARNic y/o los procedimientos de la invención se usan para dirigir una secuencia (o secuencias) de ARN a las que se hace referencia mediante el número de acceso de GenBank en la **Tabla V**, o secuencias de ácido nucleico que codifican dichas secuencias a las que se hace referencia mediante el número de acceso de GenBank en la **Tabla V**. Dichas secuencias se obtienen fácilmente usando los números de acceso de GenBank de la **Tabla V**.

En una realización, la invención ofrece una molécula de ANic que tiene actividad de iARN frente a un ARN que codifica una proteína, en la que la molécula de ANic comprende una secuencia complementaria al ARN que tiene una secuencia codificante de proteína, tal como las secuencias que tienen los N° de acceso de GenBank mostrados en la **Tabla V**.

En otra realización, la invención ofrece una molécula de ANic que tiene actividad de iARN frente a un gen, en la que la molécula de ANic comprende una secuencia de nucleótidos complementaria a una secuencia de nucleótidos del gen, tal como genes que codifican secuencias que tienen los N° de acceso de GenBank mostrados en la **Tabla V**. En otra realización, una molécula de ANic de la invención incluye una secuencia de nucleótidos que puede interactuar con una secuencia de nucleótidos de un gen y de ese modo mediar el silenciamiento de la expresión génica, por ejemplo, en la que el ANic media la regulación de la expresión génica mediante procesos celulares que modulan la estructura de la cromatina del gen e impiden la transcripción del gen.

En otra realización más, la invención ofrece una molécula de ANic como se define en las reivindicaciones que comprende una secuencia, por ejemplo, la secuencia antisentido de la construcción de ANic, complementaria a una secuencia representada por los N° de acceso de GenBank mostrados en la **Tabla V** o una parte de dicha secuencia.

En una realización, las moléculas de ácido nucleico de la invención que actúan como mediadores de la respuesta de silenciamiento génico de la interferencia de ARN son moléculas de ácido nucleico bicatenario modificadas químicamente. Al igual que en sus homólogos de ARN bicatenario nativos, las moléculas de ANic consisten típicamente en dúplex que contienen aproximadamente 19 pares de bases entre oligonucleótidos que comprenden de aproximadamente 19 a aproximadamente 25 nucleótidos. Se cree que las moléculas de ARNic más activas tienen dichos dúplex con extremos salientes de 1-3 nucleótidos, por ejemplo, dúplex de 21 nucleótidos con 19 de pares de bases y salientes 3' de 2 nucleótidos. Estos segmentos salientes se hidrolizan fácilmente mediante endonucleasas *in vivo*. Los estudios han demostrado que la sustitución de los segmentos salientes 3' de un dúplex

de ARNic de 21 unidades que tiene salientes 3' de 2 nucleótidos, con desoxirribonucleótidos no tiene un efecto adverso sobre la actividad de iARN. Se ha indicado que la sustitución de hasta 4 nucleótidos en cada extremo del ARNic con desoxirribonucleótidos se tolera bien mientras que la sustitución completa con desoxirribonucleótidos da como resultado la ausencia de actividad de iARN (Elbashir y col., 2001, EMBO J., 20, 6877). Además, Elbashir y col., anteriormente, también indican que la sustitución de ARNic con nucleótidos 2'-O-metilo suprime completamente la actividad de iARN. Li y col., Publicación Internacional PCT N° WO 00/44914 y Beach y col., Publicación Internacional PCT N° WO 01/68836 sugieren ambos que el ARNic puede incluir modificaciones en la cadena principal de azúcar-fosfato o en el nucleósido para incluir al menos uno de un heteroátomo de nitrógeno o azufre, sin embargo, ninguna solicitud muestra en qué medida se toleran estas modificaciones en moléculas de ARNic ni proporciona ningún ejemplo de dichos ARNic modificados. Kreutzer y Limmer, solicitud de patente canadiense N° 2.359.180, también describen determinadas modificaciones químicas para su uso en construcciones de ARNbc para contrarrestar la activación de la proteína quinasa dependiente de ARN bicatenario, PKR, específicamente nucleótidos 2'-amino o 2'-O-metilo y nucleótidos que contienen un puente 2'-O- o 4'-C-metileno. Sin embargo, de manera similar, Kreutzer y Limmer no muestran en qué medida se toleran estas modificaciones en moléculas de ARNic ni proporcionan ningún ejemplo de dicho ARNic modificado.

En una realización, la invención ofrece construcciones de ANic modificados químicamente que tienen especificidad por moléculas de ácido nucleico diana en una célula (es decir, moléculas de ácido nucleico diana que comprenden o codificadas por secuencias a las que se hace referencia en el presente documento mediante los números de acceso de GenBank en la **Tabla V**). Los ejemplos no limitantes de dichas modificaciones químicas incluyen, sin limitación, enlaces internucleotídicos de fosforotioato, 2'-O-metil ribonucleótidos, 2'-desoxi-2'-fluoro ribonucleótidos, 2'-desoxi ribonucleótidos, nucleótidos de "base universal", nucleótidos 5-C-metilo e incorporación de restos abásicos desoxi invertidos. Estas modificaciones químicas, cuando se usan en diversas construcciones de ANic, se demuestra que conservan la actividad de iARN en células mientras que, al mismo tiempo, aumentan espectacularmente la estabilidad de estos compuestos en suero. Adicionalmente, al contrario que los datos publicados por Parrish y col., anteriormente, el solicitante demuestra que múltiples (más de una) sustituciones con fosforotioato se toleran bien y confieren aumentos sustanciales de la estabilidad en suero a construcciones de ANic modificadas.

En una realización, una molécula de ANic de la invención comprende nucleótidos modificados al tiempo que mantiene la capacidad de mediar la iARN. Los nucleótidos modificados pueden usarse para mejorar características *in vitro* o *in vivo* tales como la estabilidad, actividad y/o biodisponibilidad. Por ejemplo, una molécula de ANic de la invención puede comprender nucleótidos modificados como un porcentaje del número total de nucleótidos presentes en la molécula de ANic. Como tal, una molécula de ANic de la invención puede comprender generalmente nucleótidos modificados de aproximadamente el 5 a aproximadamente el 100% de las posiciones de nucleótidos (por ejemplo, el 5%, 10%, 15%, 20%, 25%, 30%, 35%, 40%, 45%, 50%, 55%, 60%, 65%, 70%, 75%, 80%, 85%, 90%, 95% o 100% de las posiciones de nucleótidos). El porcentaje real de nucleótidos modificados presentes en una molécula de ANic dada depende del número total de nucleótidos presentes en el ANic. Si la molécula de ANic es monocatenaria, el porcentaje de modificación puede basarse en el número total de nucleótidos presentes en las moléculas de ANic monocatenarias. Así mismo, si la molécula de ANic es bicatenaria, el porcentaje de modificación puede basarse en el número total de nucleótidos presentes en la cadena con sentido, en la cadena antisentido o tanto en la cadena con sentido como en la antisentido. Adicionalmente, el porcentaje real de nucleótidos modificados presentes en una molécula de ANic dada, también puede depender del número total de nucleótidos de purina y de pirimidina presentes en el ANic, en el que, por ejemplo, todos los nucleótidos de pirimidina y/o todos los nucleótidos de purina presentes en la molécula de ANic están modificados.

La región antisentido de una molécula de ANic de la invención puede comprender un enlace internucleotídico de fosforotioato en el extremo 3' de dicha región antisentido. La región antisentido puede comprender de aproximadamente uno a aproximadamente cinco enlaces internucleotídicos de fosforotioato en el extremo 5' de dicha región antisentido. Los salientes de nucleótidos 3'-terminales de una molécula de ANic de la invención pueden comprender ribonucleótidos o desoxirribonucleótidos que están modificados químicamente en un azúcar, base o cadena principal del ácido nucleico. Los salientes de nucleótidos 3'-terminales pueden comprender uno o más ribonucleótidos de bases universales. Los salientes de nucleótidos 3'-terminales pueden comprender uno o más nucleótidos acíclicos.

En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) modificado químicamente, como se define en las reivindicaciones, capaz de mediar la interferencia de ARN (iARN) dentro de una célula o de un sistema *in vitro* reconstituido, en la que la modificación química comprende uno o más enlaces internucleotídicos de fosforotioato. Por ejemplo, en un ejemplo no limitante, la invención presenta un ácido nucleico de interferencia corto (ANic) modificado químicamente que tiene aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8 o más enlaces internucleotídicos de fosforotioato en una cadena de ANic. En otra realización más, la invención presenta un ácido nucleico de interferencia corto (ANic) modificado químicamente que individualmente tiene aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8 o más enlaces internucleotídicos de fosforotioato en ambas cadenas de

ANic. Los enlaces internucleotídicos de fosforotioato pueden estar presentes en una o ambas cadenas oligonucleotídicas del dúplex de ANic, por ejemplo en la cadena con sentido, en la cadena antisentido o en ambas cadenas. Las moléculas de ANic de la invención pueden comprender uno o más enlaces internucleotídicos de fosforotioato en el extremo 3', en el extremo 5' o tanto en el extremo 3' como en el 5' de la cadena con sentido, de la cadena antisentido o de ambas cadenas. Por ejemplo, una molécula de ANic ilustrativa de la invención puede comprender de aproximadamente 1 a aproximadamente 5 o más (por ejemplo, aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5 o más) enlaces internucleotídicos de fosforotioato consecutivos en el extremo 5' de la cadena con sentido, cadena antisentido o ambas cadenas. En otro ejemplo no limitante, una molécula de ANic ilustrativa de la invención puede comprender uno o más (por ejemplo aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más) enlaces internucleotídicos de fosforotioato de pirimidina en la cadena con sentido, cadena antisentido o ambas cadenas. En otro ejemplo no limitante más, una molécula de ANic ilustrativa de la invención puede comprender uno o más (por ejemplo aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más) enlaces internucleotídicos de fosforotioato de purina en la cadena con sentido, la cadena antisentido o ambas cadenas.

En una realización, la invención ofrece una molécula de ANic como se define en las reivindicaciones, en la que la cadena con sentido comprende uno o más de, por ejemplo, aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más enlaces internucleotídicos de fosforotioato y uno o más (por ejemplo aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más) 2'-desoxi, 2'-O-metilo, 2'-desoxi-2'-fluoro y, opcionalmente, una molécula protectora terminal en el extremo 3', el extremo 5' o en ambos extremos 3' y 5' de la cadena con sentido; y en la que la cadena antisentido comprende de aproximadamente 1 a aproximadamente 10 o más, específicamente aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más enlaces internucleotídicos de fosforotioato y/o uno o más (por ejemplo aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más) 2'-desoxi, 2'-O-metilo, 2'-desoxi-2'-fluoro y, opcionalmente, una molécula protectora terminal en el extremo 3', el extremo 5' o en ambos extremos 3' y 5' de la cadena antisentido. 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más nucleótidos de pirimidina de la cadena de ANic con sentido y/o antisentido están modificados químicamente con nucleótidos 2'-desoxi, 2'-O-metilo y/o 2'-desoxi-2'-fluoro, estando presentes uno o más, por ejemplo aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más, enlaces internucleotídicos de fosforotioato y/o una molécula protectora terminal en el extremo 3', el extremo 5' o en ambos extremos 3' y 5', en la misma cadena o en cadenas diferentes.

En otra realización, la invención ofrece una molécula de ANic, como se define en las reivindicaciones, en la que la cadena con sentido comprende de aproximadamente 1 a aproximadamente 5, específicamente aproximadamente 1, 2, 3, 4, ó 5 enlaces internucleotídicos de fosforotioato y/o uno o más (por ejemplo aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5 o más) 2'-desoxi, 2'-O-metilo, 2'-desoxi-2'-fluoro y, opcionalmente, una molécula protectora terminal en el extremo 3', el extremo 5' o en ambos extremos 3' y 5' de la cadena con sentido; y en la que la cadena antisentido comprende de aproximadamente 1 a aproximadamente 5 o más, específicamente aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5 o más enlaces internucleotídicos de fosforotioato y/o uno o más (por ejemplo, aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más) 2'-desoxi, 2'-O-metilo, 2'-desoxi-2'-fluoro y, opcionalmente, una molécula protectora terminal en el extremo 3', el extremo 5' o en ambos extremos 3' y 5' de la cadena antisentido. 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más nucleótidos de pirimidina de la cadena de ANic con sentido y/o antisentido están modificados químicamente con nucleótidos 2'-desoxi, 2'-O-metilo y/o 2'-desoxi-2'-fluoro, estando presentes de aproximadamente 1 a aproximadamente 5 o más, por ejemplo aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5 o más, enlaces internucleotídicos de fosforotioato y/o una molécula protectora terminal en el extremo 3', el extremo 5' o en ambos extremos 3' y 5', en la misma cadena o en cadenas diferentes.

En una realización, la invención ofrece una molécula de ANic como se define en las reivindicaciones, en la que la cadena antisentido comprende uno o más, por ejemplo, aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más enlaces internucleotídicos de fosforotioato y/o aproximadamente uno o más (por ejemplo aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más) 2'-desoxi, 2'-O-metilo, 2'-desoxi-2'-fluoro y, opcionalmente, una molécula protectora terminal en el extremo 3', el extremo 5' o tanto en el extremo 3' como en el extremo 5' de la cadena con sentido; y en la que la cadena antisentido comprende de aproximadamente 1 a aproximadamente 10 o más, específicamente aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más enlaces internucleotídicos de fosforotioato y/o uno o más (por ejemplo aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más) 2'-desoxi, 2'-O-metilo, 2'-desoxi-2'-fluoro y, opcionalmente, una molécula protectora terminal en el extremo 3', el extremo 5' o en ambos extremos 3' y 5' de la cadena antisentido. 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más nucleótidos de pirimidina de la cadena de ANic con sentido y/o antisentido están modificados químicamente con nucleótidos 2'-desoxi, 2'-O-metilo y/o 2'-desoxi-2'-fluoro, estando presentes uno o más, por ejemplo aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más, enlaces internucleotídicos de fosforotioato y/o una molécula protectora terminal en el extremo 3', el extremo 5' o en ambos extremos 3' y 5' en la misma cadena o en cadenas diferentes.

En otra realización, la invención ofrece una molécula de ANic, como se define en las reivindicaciones, en la que la cadena antisentido comprende de aproximadamente 1 a aproximadamente 5 o más, específicamente aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5 o más enlaces internucleotídicos de fosforotioato y/o uno o más (por ejemplo aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más) 2'-desoxi, 2'-O-metilo, 2'-desoxi-2'-fluoro y, opcionalmente, una molécula protectora terminal en el extremo 3', el extremo 5' o en ambos extremos 3' y 5' de la cadena con sentido; y en la que la cadena antisentido comprende de aproximadamente 1 a aproximadamente 5 o más, específicamente

aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5 o más enlaces internucleotídicos de fosforotioato y/o uno o más (por ejemplo aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más) 2'-desoxi, 2'-O-metilo, 2'-desoxi-2'-fluoro y, opcionalmente, una molécula protectora terminal en el extremo 3', el extremo 5' o en ambos extremos 3' y 5' de la cadena antisentido. 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más nucleótidos de pirimidina de la cadena de ANic con sentido y/o antisentido están modificados químicamente con nucleótidos 2'-desoxi, 2'-O-metilo y/o 2'-desoxi-2'-fluoro, estando presentes de aproximadamente 1 a aproximadamente 5 o más, por ejemplo aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5 o más, enlaces internucleotídicos de fosforotioato y/o una molécula protectora terminal en el extremo 3', el extremo 5' o en ambos extremos 3' y 5' en la misma cadena o en cadenas diferentes.

En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) modificado químicamente, como se define en las reivindicaciones, que tiene de aproximadamente 1 a aproximadamente 5, específicamente aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5 o más enlaces internucleotídicos de fosforotioato en cada cadena de la molécula de ANic.

En otra realización, la invención ofrece una molécula de ANic que comprende enlaces internucleotídicos 2'-5'. El enlace (o enlaces) internucleotídico 2'-5' puede estar en el extremo 3', el extremo 5' o en ambos extremos 3' y 5' de una o ambas cadenas de la secuencia de ANic. Adicionalmente, el enlace (o enlaces) internucleotídico 2'-5' puede estar presente en diversas posiciones diferentes dentro de una o ambas cadenas de la secuencia de ANic, por ejemplo, aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más, incluyendo cada enlace internucleotídico de un nucleótido de pirimidina en una o ambas cadenas de la molécula de ANic, pueden comprender un enlace internucleotídico 2'-5', o aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más, incluyendo cada enlace internucleotídico de un nucleótido de purina en una o ambas cadenas de la molécula de ANic, pueden comprender un enlace internucleotídico 2'-5'.

En una realización, una molécula de ANic de la invención comprende uno o más (por ejemplo aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más) nucleótidos de ácido nucleico bloqueado (LNA), por ejemplo en el extremo 5', el extremo 3', ambos extremos 5' y 3' o cualquier combinación de los mismos, de la molécula de ANic.

En otra realización, una molécula de ANic de la invención, comprende uno o más (por ejemplo aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más) nucleótidos acíclicos, por ejemplo, en el extremo 5', el extremo 3', ambos extremos 5' y 3' o cualquier combinación de los mismos, de la molécula de ANic.

En una realización la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) modificado químicamente de la invención, en la que el ANic modificado químicamente comprende una región con sentido, en la que cualquiera de (por ejemplo, uno o más o todos) los nucleótidos de pirimidina presentes en la región con sentido son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de pirimidina son nucleótidos 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina, o de manera alternativa, una pluralidad de nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina), y en la que cualquiera de (por ejemplo, uno o más o todos) los nucleótidos de purina presentes en la región con sentido son nucleótidos de 2'-desoxi purina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'-desoxi purina, o de manera alternativa, una pluralidad de nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'-desoxi purina).

En una realización la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) modificado químicamente de la invención, en la que el ANic modificado químicamente comprende una región con sentido, en la que cualquiera de (por ejemplo, uno o más o todos) los nucleótidos de pirimidina presentes en la región con sentido son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina, o de manera alternativa, una pluralidad de nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina) y en la que cualquiera de (por ejemplo, uno o más o todos) los nucleótidos de purina presentes en la región con sentido son nucleótidos de 2'-desoxi purina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'-desoxi purina, o de manera alternativa, una pluralidad de nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'-desoxi purina), en la que cualquiera de los nucleótidos que comprenden un saliente de nucleótidos 3'-terminal que están presentes en dicha región con sentido son 2'-desoxi nucleótidos.

En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) modificado químicamente de la invención, en la que el ANic modificado químicamente comprende una región antisentido, en la que cualquiera de (por ejemplo, uno o más o todos) los nucleótidos de pirimidina presentes en la región antisentido son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina, o de manera alternativa, una pluralidad de nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina), y en la que cualquiera de (por ejemplo, uno o más o todos) los nucleótidos de purina presentes en la región antisentido son nucleótidos de 2'-O-metil purina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'-O-metil purina, o de manera alternativa, una pluralidad de nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'-O-metil purina).

En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) modificado químicamente de la invención, en la que el ANic modificado químicamente comprende una región antisentido, en la que cualquiera de (por ejemplo, uno o más o todos) los nucleótidos de pirimidina presentes en la región antisentido son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina, o de manera alternativa, una pluralidad de nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina), y en la que cualquiera de (por ejemplo, uno o más o todos) los nucleótidos de purina presentes en la región antisentido son nucleótidos de 2'-O-metil purina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'-O-metil purina, o de manera alternativa, una pluralidad de nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'-O-metil purina), en la que cualquiera de los nucleótidos que comprenden un saliente de nucleótidos 3'-terminal que están presentes en dicha región antisentido son 2'-desoxi nucleótidos.

En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) modificado químicamente de la invención, en la que el ANic modificado químicamente comprende una región antisentido, en la que cualquiera de (por ejemplo, uno o más o todos) los nucleótidos de pirimidina presentes en la región antisentido son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina, o de manera alternativa, una pluralidad de nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina), y en la que cualquiera de (por ejemplo, uno o más o todos) los nucleótidos de purina presentes en la región antisentido son nucleótidos de 2'-desoxi purina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'-desoxi purina, o de manera alternativa, una pluralidad de nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'-desoxi purina).

En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) modificado químicamente de la invención, capaz de mediar la interferencia de ARN (iARN) dentro de una célula o de un sistema *in vitro* reconstituido, en la que el ANic modificado químicamente comprende una región con sentido y una región antisentido. La región con sentido comprende uno o más nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina, o de manera alternativa, una pluralidad de nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina) y uno o más nucleótidos de 2'-desoxi purina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'-desoxi purina, o de manera alternativa, una pluralidad de nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'-desoxi purina). Opcionalmente pueden estar presentes modificaciones abásicas desoxi invertidas en el extremo 3', el extremo 5' o en ambos extremos 3' y 5' de la región con sentido. Opcionalmente, la región con sentido comprende adicionalmente un saliente 3'-terminal que tiene de aproximadamente 1 a aproximadamente 4 (por ejemplo, aproximadamente 1, 2, 3, ó 4) 2'-desoxirribonucleótidos. La región antisentido comprende uno o más nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina, o de manera alternativa, una pluralidad de nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina) y uno o más nucleótidos de 2'-O-metil purina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'-O-metil purina de manera alternativa una pluralidad de nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'-O-metil purina). Opcionalmente, está presente una modificación de protección terminal, tal como cualquier modificación descrita en el presente documento o mostrada en la **Figura 22**, en el extremo 3', el extremo 5' o en ambos extremos 3' y 5' de la secuencia antisentido. Opcionalmente, la región antisentido comprende adicionalmente un saliente de nucleótidos 3'-terminal que tiene de aproximadamente 1 a aproximadamente 4 (por ejemplo, aproximadamente 1, 2, 3 ó 4) 2'-desoxinucleótidos, en la que los nucleótidos salientes pueden comprender además uno o más (por ejemplo, 1, 2, 3 ó 4) enlaces internucleotídicos de fosforotioato. Se muestran ejemplos no limitantes de estos ANic modificados químicamente en las **Figuras 18 y 19 y la Tabla IV** en el presente documento.

En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) modificado químicamente de la invención, capaz de mediar la interferencia de ARN (iARN) dentro de una célula o de un sistema *in vitro* reconstituido, en la que el ANic comprende una región con sentido y una región antisentido, en la que la región con sentido comprende uno o más nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina, o de manera alternativa, una pluralidad de nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina) y uno o más ribonucleótidos de purina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de purina son ribonucleótidos de purina, o de manera alternativa, una pluralidad de nucleótidos purina son ribonucleótidos de purina) y en la que la región antisentido comprende uno o más nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina, o de manera alternativa, una pluralidad de nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina) y uno o más nucleótidos de 2'-O-metil purina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'-O-metil-purina, o de manera alternativa, una pluralidad de nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'-O-metil-purina). Opcionalmente, están presentes modificaciones abásicas desoxi invertidas en el extremo 3', el extremo 5' o en ambos extremos 3' y 5' de la región con sentido. Opcionalmente, la región con sentido comprende adicionalmente un saliente 3'-terminal

que tiene de aproximadamente 1 a aproximadamente 4 (por ejemplo, aproximadamente 1, 2, 3 ó 4) 2'-desoxirribonucleótidos. Una modificación de protección terminal, tal como cualquier modificación descrita en el presente documento o mostrada en la **figura 22**, está opcionalmente presente en el extremo 3', el extremo 5' o en ambos extremos 3' y 5' de la secuencia antisentido. Opcionalmente, la región antisentido comprende

5 adicionalmente un saliente de nucleótidos 3'-terminal que tiene de aproximadamente 1 a aproximadamente 4 (por ejemplo, aproximadamente 1, 2, 3 ó 4) 2'-desoxinucleótidos, en la que los nucleótidos salientes pueden comprender además uno o más (por ejemplo, 1, 2, 3 ó 4) enlaces internucleotídicos de fosforotioato. Se muestran ejemplos no limitantes de estos ANic modificados químicamente en las **Figuras 18 y 19** y la **Tabla IV** en el presente documento.

10 En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) modificado químicamente de la invención, capaz de mediar la interferencia de ARN (iARN) dentro de una célula o un sistema *in vitro* reconstituido, en la que el ANic modificado químicamente comprende una región con sentido y una región antisentido, en la que la región con sentido comprende uno o más nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina, o de

15 manera alternativa, una pluralidad de nucleótidos de pirimidina son nucleótidos 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina) y uno o más nucleótidos de purina seleccionados entre el grupo que consiste en 2'-desoxi nucleótidos, nucleótidos de ácido nucleico bloqueado (LNA), 2'-metoxietil nucleótidos, 4'-tionucleótidos y 2'-O-metil nucleótidos (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de purina se seleccionan entre el grupo que consiste en 2'-desoxi nucleótidos, nucleótidos de ácido nucleico bloqueado (LNA), 2'-metoxietil nucleótidos, 4'-tionucleótidos y 2'-O-metil nucleótidos,

20 o de manera alternativa, una pluralidad de nucleótidos de purina se seleccionan entre el grupo que consiste en 2'-desoxi nucleótidos, nucleótidos de ácido nucleico bloqueado (LNA), 2'-metoxietil nucleótidos, 4'-tionucleótidos y 2'-O-metil nucleótidos) y en la que la región antisentido comprende uno o más nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina, o de manera alternativa, una pluralidad de nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina) y uno o más nucleótidos de purina seleccionados entre el grupo que consiste en 2'-desoxi nucleótidos, nucleótidos de ácido nucleico bloqueado (LNA), 2'-metoxietil nucleótidos, 4'-tionucleótidos y 2'-O-metil nucleótidos (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de purina se seleccionan entre el grupo que consiste en 2'-desoxi nucleótidos, nucleótidos de ácido nucleico bloqueado (LNA), 2'-metoxietil nucleótidos, 4'-tionucleótidos y 2'-O-metil nucleótidos, o de manera alternativa, una pluralidad de nucleótidos de purina se seleccionan entre el

25 grupo que consiste en 2'-desoxi nucleótidos, nucleótidos de ácido nucleico bloqueado (LNA), 2'-metoxietil nucleótidos, 4'-tionucleótidos y 2'-O-metil nucleótidos). Opcionalmente, están presentes modificaciones abásicas desoxi invertidas en el extremo 3', el extremo 5' o ambos extremos 3' y 5' de la región con sentido. Opcionalmente, la región con sentido comprende además un saliente 3'-terminal que tiene de aproximadamente 1 a aproximadamente 4 (por ejemplo, aproximadamente 1, 2, 3, ó 4) 2'-desoxirribonucleótidos. Una modificación de protección terminal, tal como cualquier modificación descrita en el presente documento o mostrada en la **Figura 22**, está presente opcionalmente en el extremo 3', el extremo 5' o en ambos extremos 3' y 5' de la secuencia antisentido. Opcionalmente, la región antisentido comprende además un saliente de nucleótidos 3'-terminal que tiene de aproximadamente 1 a aproximadamente 4 (por ejemplo, aproximadamente 1, 2, 3, ó 4) 2'-desoxinucleótidos, en la que los nucleótidos salientes pueden comprender además uno o más (por ejemplo, 1, 2, 3, ó 4) enlaces internucleotídicos de fosforotioato.

30

35

40

En otra realización, cualquier nucleótido modificado presente en las moléculas de ANic de la invención, preferentemente en la cadena antisentido de las moléculas de ANic de la invención, aunque también opcionalmente en las cadenas con sentido y/o tanto antisentido como con sentido, comprenden nucleótidos modificados que tienen propiedades o características similares a los ribonucleótidos de origen natural. Por

45 ejemplo, la invención presenta moléculas de ANic que incluyen nucleótidos modificados que tienen una conformación Norte (por ejemplo, ciclo de pseudorrotación Norte, véase por ejemplo Saenger, Principles of Nucleic Acid Structure, Springer-Verlag ed., 1984). Como tales, los nucleótidos modificados químicamente presentes en las moléculas de ANic de la invención, preferentemente en la cadena antisentido de las moléculas de ANic de la invención, aunque también opcionalmente en las cadenas con sentido y/o tanto antisentido como con sentido, son

50 resistentes a la degradación por nucleasa mientras que al mismo tiempo mantienen la capacidad de mediar la iARN. Los ejemplos no limitantes de nucleótidos que tienen una configuración Norte incluyen nucleótidos de ácido nucleico bloqueado (LNA) (por ejemplo, 2'-O,4'-C-metilen-(D-ribufuranosi nucleótidos); 2'-metoxietoxi (MOE) nucleótidos; 2'-metil-tio-etil, 2'-desoxi-2'-fluoro nucleótidos, 2'-desoxi-2'-cloro nucleótidos, 2'-azido nucleótidos y 2'-O-metil nucleótidos.

55 En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) modificado químicamente capaz de mediar la interferencia de ARN (iARN) dentro de una célula o sistema *in vitro* reconstituido, en la que la modificación química comprende un conjugado unido covalentemente a la molécula de ANic modificada químicamente. En otra realización, el conjugado está unido covalentemente a la molécula de ANic modificada químicamente, a través de un engarce biodegradable. En una realización, la molécula de conjugado

está unida en el extremo 3' de la cadena con sentido, la cadena antisentido o ambas cadenas de la molécula de ANic modificada químicamente. En otra realización, la molécula de conjugado se une en el extremo 5' de la cadena con sentido, la cadena antisentido o ambas cadenas de la molécula de ANic modificada químicamente. En otra realización más, la molécula de conjugado se une tanto al extremo 3' como al extremo 5' de cualquiera de la cadena con sentido, la cadena antisentido o ambas cadenas de la molécula de ANic modificada químicamente o cualquier combinación de las mismas. En una realización, una molécula de conjugado de la invención comprende una molécula que facilita el suministro de una molécula de ANic modificada químicamente en un sistema biológico, tal como una célula. En otra realización, la molécula de conjugado unida a la molécula de ANic modificada químicamente es un polietilenglicol, albúmina de suero humano o un ligando para un receptor celular que puede mediar la captación celular. Se describen ejemplos de moléculas de conjugado específicas que contempla la presente invención que pueden unirse a moléculas de ANic modificadas químicamente en Vargeese y col., N° de Serie de los Estados Unidos 10/201.394, que se incorpora por referencia en el presente documento. El tipo de conjugado usado y el grado de conjugación de las moléculas de ANic de la invención puede evaluarse para determinar una mejora en los perfiles farmacocinéticos, la biodisponibilidad y/o la estabilidad de las construcciones de ANic mientras que al mismo tiempo se mantiene la capacidad del ANic para mediar la actividad de iARN. Como tal, un experto en la materia puede seleccionar construcciones de ANic que están modificadas con diversos conjugados para determinar si el complejo de ANic-conjugado posee propiedades mejoradas a la vez que mantiene la capacidad de mediar la iARN, por ejemplo, en modelos animales como se conocen generalmente en la técnica.

En una realización, la invención ofrece una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) de la invención, en la que el ANic comprende además un engarce nucleotídico, no nucleotídico o mixto nucleotídico/no nucleotídico que une la región con sentido del ANic con la región antisentido del ANic. En una realización, un engarce nucleotídico de la invención puede ser un engarce de ≥ 2 nucleótidos de longitud, por ejemplo, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9 ó 10 nucleótidos de longitud. En otra realización, el engarce nucleotídico puede ser un aptámero de ácido nucleico. "Aptámero" o "aptámero de ácido nucleico", como se usan en el presente documento, significan una molécula de ácido nucleico que se une específicamente a una molécula diana en la que la molécula de ácido nucleico tiene una secuencia que comprende una secuencia reconocida por la molécula diana en su entorno natural. Como alternativa, un aptámero puede ser una molécula de ácido nucleico que se une a una molécula diana en la que la molécula diana no se une de forma natural a un ácido nucleico. La molécula diana puede ser cualquier molécula de interés. Por ejemplo, el aptámero puede usarse para unirse a un dominio de unión a ligando de una proteína, impidiendo de ese modo la interacción del ligando de origen natural con la proteína. Esto es un ejemplo no limitante y los expertos en la materia reconocerán que pueden generarse fácilmente otras realizaciones usando las técnicas conocidas generalmente en el campo (véase, por ejemplo, Gold y col., 1995, Annu. Rev. Biochem., 64, 763; Brody y Gold, 2000, J. Biotechnol., 74, 5; Sun, 2000, Curr. Opin. Mol. Ther., 2, 100; Kusser, 2000, J. Biotechnol., 74, 27; Hermann y Patel, 2000, Science, 287, 820; y Jayasena, 1999, Clinical Chemistry, 45, 1628.).

En otra realización más, un engarce no nucleotídico de la invención comprende un nucleótido abásico, poliéter, poliamina, poliamida, péptido, carbohidrato, lípido, polihidrocarburo u otros compuestos poliméricos (por ejemplo, polietilenglicoles tales como los que tienen entre 2 y 100 unidades de etilenglicol). Los ejemplos específicos incluyen los descritos por Seela y Kaiser, Nucleic Acids Res. 1990, 18: 6353 y Nucleic Acids Res. 1987, 15: 3113; Cload y Schepartz, J. Am. Chem. Soc. 1991, 113: 6324; Richardson y Schepartz, J. Am. Chem. Soc. 1991, 113: 5109; Ma y col., Nucleic Acids Res. 1993, 21: 2585 y Biochemistry 1993, 32: 1751; Durand y col., Nucleic Acids Res. 1990, 18: 6353; McCurdy y col., Nucleosides & Nucleotides 1991, 10: 287; Jschke y col., Tetrahedron Lett. 1993, 34: 301; Ono y col., Biochemistry 1991, 30: 9914; Arnold y col., Publicación Internacional N° WO 89/02439; Usman y col., Publicación Internacional N° WO 95/06731; Dudycz y col., Publicación Internacional N° WO 95/11910 y Ferentz y Verdine, J. Am. Chem. Soc. 1991, 113: 4000, todos incorporados por la presente por referencia en el presente documento. Un "no nucleótido" significa además cualquier grupo o compuesto que se puede incorporar en una cadena de ácido nucleico en el lugar de una o más unidades de nucleótido, incluyendo sustituciones de azúcar y/o fosfato, y permite que las bases restantes muestren su actividad enzimática. El grupo o compuesto puede ser abásico en el sentido de que no contiene una base de nucleótido reconocida comúnmente, tal como adenosina, guanina, citosina, uracilo o timina, por ejemplo, en la posición C1 del azúcar.

Se proporciona una molécula de ANic monocatenario que media la actividad de iARN en una célula o sistema *in vitro* reconstituido, en la que la molécula de ANic comprende un polinucleótido monocatenario que tiene complementariedad con una secuencia de ácido nucleico diana. La molécula de ANic monocatenario puede comprender un grupo fosfato 5'-terminal. La molécula de ANic monocatenario puede comprender un grupo fosfato 5'-terminal y un grupo fosfato 3'-terminal (por ejemplo, un fosfato 2',3'-cíclico). La molécula de ANic monocatenario puede comprender de aproximadamente 19 a aproximadamente 29 nucleótidos. La molécula de ANic monocatenario puede comprender uno o más nucleótidos modificados químicamente o no nucleótidos descritos en el presente documento.

Se proporciona una molécula de ANic monocatenario que media la actividad de iARN en una célula o sistema *in*

vitro reconstituido, en la que la molécula de ANic comprende un polinucleótido monocatenario que tiene complementariedad con una secuencia de ácido nucleico diana, y en la que uno o más nucleótidos de pirimidina presentes en el ANic son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina o, de forma alternativa, una pluralidad de nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina) y en la que cualquiera de los nucleótidos de purina presentes en la región antisentido son nucleótidos de 2'-O-metil purina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'-O-metil purina o, de forma alternativa, una pluralidad de nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'-O-metil purina) y una modificación de protección terminal, tal como cualquier modificación descrita en el presente documento o mostrada en la **Figura 22**, que está presente opcionalmente en el extremo 3', el extremo 5' o tanto en el extremo 3' como el 5' de la secuencia antisentido, comprendiendo además opcionalmente el ANic de aproximadamente 1 a aproximadamente 4 (por ejemplo, aproximadamente 1, 2, 3 ó 4) 2'-desoxinucleótidos terminales en el extremo 3' de la molécula de ANic, en la que los nucleótidos terminales pueden comprender además uno o más (por ejemplo, 1, 2, 3 ó 4) enlaces internucleotídicos de fosforotioato, y en la que el ANic comprende además opcionalmente un grupo fosfato terminal, tal como un grupo fosfato 5'- terminal.

Se proporciona una molécula de ANic monocatenario que media la actividad de iARN en una célula o sistema *in vitro* reconstituido, en la que la molécula de ANic comprende un polinucleótido monocatenario que tiene complementariedad con una secuencia de ácido nucleico diana, y en la que uno o más nucleótidos de pirimidina presentes en el ANic son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina o, de forma alternativa, una pluralidad de nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina) y en la que cualquiera de los nucleótidos de purina presentes en la región antisentido son nucleótidos de 2'-desoxi purina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'- desoxi purina o, de forma alternativa, una pluralidad de nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'- desoxi purina) y una modificación de protección terminal, tal como cualquier modificación descrita en el presente documento o mostrada en la **Figura 22**, que está presente opcionalmente en el extremo 3', el extremo 5' o tanto en el extremo 3' como en el 5' de la secuencia antisentido, comprendiendo además opcionalmente el ANic de aproximadamente 1 a aproximadamente 4 (por ejemplo, aproximadamente 1, 2, 3 ó 4) 2'-desoxinucleótidos terminales en el extremo 3' de la molécula de ANic, en la que los nucleótidos terminales pueden comprender además uno o más (por ejemplo, 1, 2, 3 ó 4) enlaces internucleotídicos de fosforotioato y en la que el ANic comprende además opcionalmente un grupo fosfato terminal, tal como un grupo fosfato 5'- terminal.

Se proporciona una molécula de ANic monocatenario que media la actividad de iARN en una célula o sistema *in vitro* reconstituido, en la que la molécula de ANic comprende un polinucleótido monocatenario que tiene complementariedad con una secuencia de ácido nucleico diana y en la que uno o más nucleótidos de pirimidina presentes en el ANic son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina o, de forma alternativa, una pluralidad de nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina), y en la que cualquiera de los nucleótidos de purina presentes en la región antisentido son nucleótidos de ácido nucleico bloqueado (LNA) (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de purina son nucleótidos de LNA o, de forma alternativa, una pluralidad de nucleótidos de purina son nucleótidos de LNA) y una modificación de protección terminal, tal como cualquier modificación descrita en el presente documento o mostrada en la **Figura 22**, que está presente opcionalmente en el extremo 3', el extremo 5' o tanto en el extremo 3' como en el 5' de la secuencia antisentido, comprendiendo además opcionalmente el ANic de aproximadamente 1 a aproximadamente 4 (por ejemplo, aproximadamente 1, 2, 3 ó 4) 2'-desoxinucleótidos terminales en el extremo 3' de la molécula de ANic, en la que los nucleótidos terminales pueden comprender además uno o más (por ejemplo, 1, 2, 3 ó 4) enlaces internucleotídicos de fosforotioato y en la que el ANic comprende además opcionalmente un grupo fosfato terminal, tal como un grupo fosfato 5'- terminal.

Se proporciona una molécula de ANic monocatenario que media la actividad de iARN en una célula o sistema *in vitro* reconstituido, en la que la molécula de ANic comprende un polinucleótido monocatenario que tiene complementariedad con una secuencia de ácido nucleico diana y en la que uno o más nucleótidos de pirimidina presentes en el ANic son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina o, de forma alternativa, una pluralidad de nucleótidos de pirimidina son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina) y en la que cualquiera de los nucleótidos de purina presentes en la región antisentido son nucleótidos de 2'-metoxietil purina (por ejemplo, en la que todos los nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'- metoxietil purina o, de forma alternativa, una pluralidad de nucleótidos de purina son nucleótidos de 2'- metoxietil purina) y una modificación de protección terminal, tal como cualquier modificación descrita en el presente documento o mostrada en la **Figura 22**, que está presente opcionalmente en el extremo 3', el extremo 5' o tanto en el extremo 3' como en el 5' de la secuencia antisentido, comprendiendo además opcionalmente el ANic de aproximadamente 1 a aproximadamente 4 (por ejemplo, aproximadamente 1, 2, 3 ó 4) 2'-desoxinucleótidos terminales en el extremo 3' de la molécula de ANic, en la que los nucleótidos terminales pueden comprender además uno o más (por ejemplo, 1, 2, 3 ó 4) enlaces internucleotídicos de fosforotioato y en la que el ANic comprende además opcionalmente un grupo fosfato terminal, tal como un grupo fosfato 5'-terminal.

Cualquier nucleótido modificado presente en las moléculas de ANic monocatenario puede comprender nucleótidos modificados que tienen propiedades o características similares a los ribonucleótidos de origen natural. Los mismos incluyen moléculas de ANic incluyendo nucleótidos modificados que tienen una conformación Norte (por ejemplo, ciclo de pseudorrotación Norte, véase, por ejemplo Saenger, Principles of Nucleic Acid Structure, Springer-Verlag ed., 1984). Como tal, los nucleótidos modificados químicamente presentes en las moléculas de ANic monocatenario preferentemente son resistentes a la degradación por nucleasa mientras que al mismo tiempo mantienen la capacidad de mediar la iARN.

En una realización, la invención ofrece un procedimiento para modular la expresión de un gen dentro de una célula que comprende: (a) sintetizar una molécula de ANic de la invención, que está modificada químicamente, en la que una de las cadenas del ANic comprende una secuencia complementaria al ARN del gen; y (b) introducir la molécula de ANic en una célula en condiciones adecuadas para modular la expresión del gen en la célula.

En una realización, la invención presenta un procedimiento para modular la expresión de un gen dentro de una célula que comprende: (a) sintetizar una molécula de ANic de la invención, que está modificada químicamente, en la que una de las cadenas del ANic comprende una secuencia complementaria al ARN del gen y en la que la secuencia de la cadena con sentido del ANic comprende una secuencia sustancialmente similar a la secuencia del ARN diana; y (b) introducir la molécula de ANic en una célula en condiciones adecuadas para modular la expresión del gen en la célula.

En otra realización, la invención ofrece un procedimiento para modular la expresión de más de un gen dentro de una célula que comprende: (a) sintetizar moléculas de ANic de la invención, que están modificadas químicamente, en las que una de las cadenas de ANic comprende una secuencia complementaria al ARN de los genes; (b) introducir las moléculas de ANic en una célula en condiciones adecuadas para modular la expresión de los genes en la célula.

En otra realización, la invención ofrece un procedimiento para modular la expresión de más de un gen dentro de una célula que comprende: (a) sintetizar una molécula de ANic de la invención, que está modificada químicamente, en la que una de las cadenas de ANic comprende una secuencia complementaria al ARN del gen y en la que la secuencia de la cadena con sentido del ANic comprende una secuencia idéntica a la secuencia del ARN diana; y (b) introducir las moléculas de ANic en una célula en condiciones adecuadas para modular la expresión de los genes en la célula.

En una realización, las moléculas de ANic de la invención se usan como reactivos en aplicaciones *ex vivo*. Por ejemplo, se introducen reactivos de ANic en tejido o células que se trasplantan a un sujeto para un efecto terapéutico. Las células y/o el tejido se pueden obtener a partir de un organismo o sujeto que posteriormente recibe el explante, o se pueden obtener a partir de otro organismo o sujeto antes del trasplante. Las moléculas de ANic se pueden usar para modular la expresión de uno o más genes en las células o tejido, de forma que las células o tejido obtengan un fenotipo deseado o sean capaces de realizar una función cuando se trasplantan *in vivo*. En una realización, se extraen determinadas células diana de un paciente. Estas células extraídas se ponen en contacto con ANic que se dirigen a una secuencia de nucleótidos específica dentro de las células en condiciones adecuadas para la captación de los ANic por estas células (por ejemplo, usando reactivos de suministro tales como lípidos catiónicos, liposomas y similares o usando técnicas tales como electroporación para facilitar el suministro de ANic a las células). Las células después se vuelven a introducir en el mismo paciente o en otros pacientes. Los ejemplos no limitantes de aplicaciones *ex vivo* incluyen su uso en el trasplante de órganos/tejidos, injerto de tejido o tratamiento de enfermedad pulmonar (por ejemplo, reestenosis) o para prevenir la hiperplasia de la neointima y/o aterosclerosis en injertos venosos. Tales aplicaciones *ex vivo* también se pueden usar para tratar afecciones asociadas con rechazo de injerto de derivación coronaria y periférica, por ejemplo, tales procedimientos se pueden usar junto con cirugía de injerto de derivación vascular periférica y cirugía de injerto de derivación de la arteria coronaria. Las aplicaciones adicionales incluyen trasplantes para tratar lesiones o daños del SNC, incluyendo su uso en el tratamiento de afecciones neurodegenerativas tales como enfermedad de Alzheimer, enfermedad de Parkinson, Epilepsia, Demencia, enfermedad de Huntington o esclerosis lateral amiotrófica (ELA).

En una realización, la invención ofrece un procedimiento para modular la expresión de un gen en un explante de tejido que comprende: (a) sintetizar una molécula de ANic de la invención, que está modificada químicamente, en la que una de las cadenas del ANic comprende una secuencia complementaria al ARN del gen, y (b) introducir la molécula de ANic en una célula del explante de tejido obtenido a partir de un organismo particular en condiciones adecuadas para modular la expresión del gen en el explante de tejido. En otra realización, el procedimiento comprende además introducir el explante de tejido de nuevo en el organismo a partir del cual se obtuvo el tejido o en otro organismo en condiciones adecuadas para modular la expresión del gen en ese organismo.

En una realización, la invención ofrece un procedimiento para modular la expresión de un gen en un explante de tejido que comprende: (a) sintetizar una molécula de ANic de la invención, que está modificada químicamente, en

la que una de las cadenas del ANic comprende una secuencia complementaria al ARN del gen y en la que la secuencia de la cadena con sentido del ANic comprende una secuencia idéntica a la secuencia del ARN diana; y (b) introducir la molécula de ANic en una célula del explante de tejido obtenido a partir de un organismo particular en condiciones adecuadas para modular la expresión del gen en el explante de tejido. En otra realización, el procedimiento comprende además introducir el explante de tejido de nuevo en el organismo a partir del cual se obtuvo el tejido o en otro organismo, en condiciones adecuadas para modular la expresión del gen en ese organismo.

En otra realización, la invención ofrece un procedimiento para modular la expresión de más de un gen en un explante de tejido, que comprende: (a) sintetizar moléculas de ANic de la invención, que están modificadas químicamente, en las que una de las cadenas del ANic comprende una secuencia complementaria al ARN de los genes; (b) introducir las moléculas de ANic en una célula del explante de tejido obtenido a partir de un organismo particular en condiciones adecuadas para modular la expresión de los genes en el explante de tejido. En otra realización, el procedimiento comprende además introducir el explante de tejido de nuevo en el organismo a partir del cual se obtuvo el tejido o en otro organismo en condiciones adecuadas para modular la expresión de los genes en ese organismo.

En una realización, la invención ofrece un procedimiento para modular la expresión de un gen en un organismo que comprende: (a) sintetizar una molécula de ANic de la invención, que está modificada químicamente, en la que una de las cadenas del ANic comprende una secuencia complementaria al ARN del gen, y (b) introducir la molécula de ANic en el organismo en condiciones adecuadas para modular la expresión del gen en el organismo.

En otra realización, la invención presenta además un procedimiento para modular la expresión de más de un gen en un organismo que comprende: (a) sintetizar moléculas de ANic de la invención, que están modificadas químicamente, en las que una de las cadenas del ANic comprende una secuencia complementaria al ARN de los genes; y (b) introducir las moléculas de ANic en el organismo en condiciones adecuadas para modular la expresión de los genes en el organismo.

En una realización, la invención ofrece un procedimiento para modular la expresión de un gen dentro de una célula que comprende: (a) sintetizar una molécula de ANic de la invención, que está modificada químicamente, en la que el ANic comprende una secuencia monocatenaria que tienen complementariedad con el ARN del gen; y (b) introducir la molécula de ANic en una célula en condiciones adecuadas para modular la expresión del gen en la célula.

En otra realización, la invención ofrece un procedimiento para modular la expresión de más de un gen dentro de una célula que comprende: (a) sintetizar moléculas de ANic de la invención, que están modificadas químicamente, en las que el ANic comprende una secuencia monocatenaria que tiene complementariedad con el ARN del gen; y (b) poner en contacto la molécula de ANic con una célula *in vitro* o *in vivo* en condiciones adecuadas para modular la expresión de los genes en la célula.

En una realización, la invención ofrece un procedimiento para modular la expresión de un gen en un explante de tejido que comprende: (a) sintetizar una molécula de ANic de la invención, que está modificada químicamente, en la que el ANic comprende una secuencia monocatenaria que tiene complementariedad con el ARN del gen; y (b) poner en contacto la molécula de ANic con una célula del explante de tejido obtenido a partir de un organismo particular en condiciones adecuadas para modular la expresión del gen en el explante de tejido. En otra realización, el procedimiento comprende además introducir el explante de tejido de nuevo en el organismo a partir del cual se obtuvo el tejido o en otro organismo en condiciones adecuadas para modular la expresión del gen en ese organismo.

En otra realización, la invención ofrece un procedimiento para modular la expresión de más de un gen en un explante de tejido que comprende: (a) sintetizar moléculas de ANic de la invención, que está modificada químicamente, en las que el ANic comprende una secuencia monocatenaria que tiene complementariedad con el ARN del gen; y (b) introducir las moléculas del ANic en una célula del explante de tejido obtenido a partir de un organismo particular en condiciones adecuadas para modular la expresión de los genes en el explante de tejido. En otra realización, el procedimiento comprende además introducir el explante de tejido de nuevo en el organismo a partir del cual se obtuvo el tejido o en otro organismo en condiciones adecuadas para modular la expresión de los genes en ese organismo.

En una realización, la invención ofrece un procedimiento para modular la expresión de un gen en un organismo que comprende: (a) sintetizar una molécula de ANic de la invención, que está modificada químicamente, en la que el ANic comprende una secuencia monocatenaria que tiene complementariedad con el ARN del gen; y (b) introducir la molécula de ANic en el organismo en condiciones adecuadas para modular la expresión del gen en el organismo.

En otra realización, la invención ofrece un procedimiento para modular la expresión de más de un gen en un organismo que comprende: (a) sintetizar moléculas de ANic de la invención, que están modificadas químicamente, en las que el ANic comprende una secuencia monocatenaria que tiene complementariedad con el ARN del gen; y (b) introducir las moléculas de ANic en el organismo en condiciones adecuadas para modular la expresión de los genes en el organismo.

En una realización, la invención ofrece un procedimiento para modular la expresión de un gen en un organismo que comprende poner en contacto el organismo con una molécula de ANic de la invención en condiciones adecuadas para modular la expresión del gen en el organismo.

En otra realización, la invención ofrece un procedimiento para modular la expresión de más de un gen en un organismo que comprende poner en contacto el organismo con una o más moléculas de ANic de la invención en condiciones adecuadas para modular la expresión de los genes en el organismo.

Las moléculas de ANic de la invención se pueden diseñar para inhibir la expresión de un gen diana a través de la dirección de la iARN de una diversidad de moléculas de ARN. En una realización, las moléculas de ANic de la invención se usan para dirigir diversos ARN correspondientes a un gen diana. Los ejemplos no limitantes de tales ARN incluyen ARN mensajero (ARNm), variantes de corte y empalme alternativo del ARN de un gen o genes diana, ARN modificado post-transcripcionalmente de un gen o genes diana, pre-ARNm de un gen o genes diana y/o moldes de ARN. Si el corte y empalme alternativo produce una familia de transcritos que se distinguen por el uso de exones apropiados, la presente invención se puede usar para inhibir la expresión génica a través de los exones apropiados para inhibir específicamente o distinguir entre las funciones de miembros de familias de genes. Por ejemplo, una proteína que contiene un dominio transmembrana sometido a corte y empalme alternativo se puede expresar en formas tanto unida a membrana como secretada. El uso de la invención para dirigirse al exón que contiene el dominio transmembrana se puede usar para determinar las consecuencias funcionales de la dirección farmacéutica de la forma unida a membrana a diferencia de la secretada de la proteína. Los ejemplos no limitantes de aplicaciones de la invención que se refieren a la dirección de estas moléculas de ARN incluyen aplicaciones farmacéuticas terapéuticas, aplicaciones de descubrimiento farmacéutico, aplicaciones de diagnóstico molecular y función génica y mapeo de genes, por ejemplo usando mapeo de polimorfismos de un solo nucleótido con moléculas de ANic de la invención. Tales aplicaciones se pueden poner en práctica usando secuencias génicas conocidas o a partir de secuencias parciales disponibles a partir de una etiqueta de secuencia expresada (EST).

En otra realización, las moléculas de ANic de la invención se usan para dirigir secuencias conservadas correspondientes a una familia de genes o familias de genes. Como tal, las moléculas de ANic que se dirigen a múltiples dianas génicas pueden proporcionar un efecto terapéutico aumentado. Adicionalmente, se puede usar ANic para caracterizar rutas de función génica en una diversidad de aplicaciones. Por ejemplo, la presente invención se puede usar para inhibir la actividad de un gen o genes diana en una ruta para determinar la función de un gen o genes no caracterizados en el análisis de la función génica, análisis de la función del ARNm o análisis traduccional. La invención se puede usar para determinar rutas de genes diana potenciales implicadas en diversas enfermedades y afecciones hacia el desarrollo farmacéutico. La invención se puede usar para comprender rutas de expresión génica implicadas en, por ejemplo, el desarrollo, tal como el desarrollo prenatal y el desarrollo postnatal y/o la progresión y/o el mantenimiento del cáncer, enfermedades infecciosas, autoinmunidad, inflamación, trastornos endocrinos, enfermedad renal, enfermedad pulmonar, enfermedad cardiovascular, defectos de nacimiento, envejecimiento y otras enfermedades o afecciones relacionadas con la expresión génica.

En una realización, la invención ofrece un procedimiento que comprende: (a) generar una biblioteca de construcciones de ANic con una complejidad predeterminada; y (b) ensayar las construcciones de ANic de (a) mencionado anteriormente, en condiciones adecuadas para determinar sitios diana de iARN dentro de la secuencia de ARN diana. En otra realización, las moléculas de ANic de (a) tienen cadenas de una longitud fija, por ejemplo, aproximadamente 23 nucleótidos de longitud. En otra realización más, las moléculas de ANic de (a) son de longitud diferente, por ejemplo, tienen cadenas de aproximadamente 19 a aproximadamente 25 (por ejemplo, aproximadamente 19, 20, 21, 22, 23, 24 ó 25) nucleótidos de longitud. En una realización, el ensayo puede comprender un ensayo de ANic *in vitro* reconstituido como se describe en el presente documento. En otra realización, el ensayo puede comprender un sistema de cultivo celular en el que se expresa ARN diana. En otra realización, se analizan fragmentos de ARN diana para determinar niveles detectables de escisión, por ejemplo, mediante electroforesis en gel, análisis de transferencia de Northern o ensayos de protección de ARNasa, para determinar el sitio o los sitios diana más adecuados dentro de la secuencia de ARN diana. La secuencia de ARN diana se puede obtener como se conoce en la técnica, por ejemplo, mediante clonación y/o transcripción para sistemas *in vitro* y mediante expresión celular en sistemas *in vivo*.

En una realización, la invención ofrece un procedimiento que comprende: (a) generar una biblioteca aleatorizada de construcciones de ANic que tienen una complejidad predeterminada, tal como de 4^N , donde N representa el

número de nucleótidos formando pares de bases en cada una de las cadenas de la construcción de ANic (por ejemplo, para una construcción de ANic que tiene cadenas con sentido y antisentido de 21 nucleótidos con 19 pares de bases, la complejidad sería de 4¹⁹) y (b) ensayar las construcciones de ANic de (a) mencionado anteriormente, en condiciones adecuadas para determinar sitios diana de iARN dentro de la secuencia de ARN diana. En otra realización, las moléculas de ANic de (a) tienen cadenas de una longitud fija, por ejemplo, de aproximadamente 23 nucleótidos de longitud. En otra realización más, las moléculas de ANic de (a) tienen una longitud diferente, por ejemplo, tienen cadenas de aproximadamente 19 a aproximadamente 25 (por ejemplo, aproximadamente 19, 20, 21, 22, 23, 24 ó 25) nucleótidos de longitud. En una realización, el ensayo puede comprender un ensayo de ANic *in vitro* reconstituido como se ha descrito en el Ejemplo 7 en el presente documento. En otra realización, el ensayo puede comprender un sistema de cultivo celular en el que se expresa ARN diana. En otra realización, se analizan fragmentos de ARN diana para determinar niveles detectables de escisión, por ejemplo mediante electroforesis en gel, análisis de transferencia de Northern o ensayos de protección de ARNasa, para determinar el sitio o los sitios diana más adecuados dentro de la secuencia de ARN diana. En otra realización, la secuencia de ARN diana se puede obtener como se conoce en la técnica, por ejemplo, mediante clonación y/o transcripción para sistemas *in vitro* y mediante expresión celular en sistemas *in vivo*.

En otra realización, la invención ofrece un procedimiento que comprende: (a) analizar la secuencia de una diana de ARN codificada por un gen diana; (b) sintetizar uno o más conjuntos de moléculas de ANic que tienen una secuencia complementaria a una o más regiones del ARN de (a); y (c) ensayar las moléculas de ANic de (b) en condiciones adecuadas para determinar dianas de iARN dentro de la secuencia de ARN diana. En una realización, las moléculas de ANic de (b) tienen cadenas de una longitud fija, por ejemplo de aproximadamente 23 nucleótidos de longitud. En otra realización, las moléculas de ANic de (b) son de longitud diferente, por ejemplo, tienen cadenas de aproximadamente 19 a aproximadamente 25 (por ejemplo, aproximadamente 19, 20, 21, 22, 23, 24 ó 25) nucleótidos de longitud. En una realización, el ensayo puede comprender un ensayo de ANic *in vitro* reconstituido como se ha descrito en el presente documento. En otra realización, el ensayo puede comprender un sistema de cultivo celular en el que se expresa ARN diana. Los fragmentos de ARN diana se analizan para determinar niveles detectables de escisión, por ejemplo, mediante electroforesis en gel, análisis de transferencia de Northern o ensayos de protección de ARNasa, para determinar el sitio o los sitios diana más adecuados dentro de la secuencia de ARN diana. La secuencia de ARN diana se puede obtener como se conoce en la técnica, por ejemplo, mediante clonación y/o transcripción para sistemas *in vitro* y mediante expresión en sistemas *in vivo*.

Por "sitio diana" se quiere significar una secuencia dentro de un ARN diana a la que se "dirige" la escisión mediada por una construcción de ANic que contiene secuencias dentro de su región antisentido que son complementarias a la secuencia diana.

Por "nivel detectable de escisión" se quiere significar la escisión de ARN diana (y formación de ARN de producto escindidos) en una medida suficiente para diferenciar los productos de escisión por encima del fondo de ARN producidos mediante degradación aleatoria del ARN diana. La producción de productos de escisión del 1-5% del ARN diana es suficiente para detectarse por encima del fondo para la mayoría de los procedimientos de detección.

En una realización, la invención presenta una composición que comprende una molécula de ANic de la invención, que está modificada químicamente, en un vehículo o diluyente farmacéuticamente aceptable. En otra realización, la invención presenta una composición farmacéutica que comprende moléculas de ANic de la invención, que están modificadas químicamente, que se dirigen a uno o más genes en un vehículo o diluyente farmacéuticamente aceptable. Se proporciona un procedimiento para tratar o prevenir una enfermedad o afección en un sujeto, que comprende administrar al sujeto una composición de la invención en condiciones adecuadas para el tratamiento o prevención de la enfermedad o afección en el sujeto, sólo o junto con uno o más compuestos terapéuticos distintos. Se proporciona un procedimiento para reducir o evitar el rechazo de tejido en un sujeto que comprende administrar al sujeto una composición de la invención en condiciones adecuadas para la reducción o prevención del rechazo de tejido en el sujeto.

En otra realización, la invención ofrece un procedimiento para validar una diana génica, que comprende: (a) sintetizar una molécula de ANic de la invención, que está modificada químicamente en la que una de las cadenas de ANic incluye una secuencia complementaria a ARN de un gen diana; (b) introducir la molécula de ANic en una célula, tejido u organismo en condiciones adecuadas para modular la expresión del gen diana en la célula, tejido u organismo, y (c) determinar la función del gen ensayando cualquier cambio fenotípico en la célula, tejido u organismo.

En otra realización, la invención ofrece un procedimiento para validar un gen diana que comprende: (a) sintetizar una molécula de ANic de la invención, que está modificada químicamente, en la que una de las cadenas de ANic incluye una secuencia complementaria al ARN de un gen diana; (b) introducir la molécula de ANic en un sistema biológico en condiciones adecuadas para modular la expresión del gen diana en el sistema biológico; y (c) determinar la función del gen ensayando cualquier cambio fenotípico en el sistema biológico.

“Sistema biológico” significa un material, en una forma purificada o no purificada, a partir de fuentes biológicas, incluyendo aunque sin limitación fuentes humanas, animales, vegetales, de insecto, bacterianas, virales u otras, en las que el sistema comprende los componentes necesarios para la actividad de iARN. La expresión “sistema biológico” incluye, por ejemplo, una célula, tejido u organismo o extracto de los mismos. La expresión sistema biológico también incluye sistemas de iARN reconstituidos que se pueden usar en un entorno *in vitro*.

Por “cambio fenotípico” se quiere significar cualquier cambio detectable en una célula que se produce como respuesta al contacto o tratamiento con una molécula de ácido nucleico de la invención (por ejemplo, ANic). Tales cambios detectables incluyen, pero sin limitación, cambios en la forma, tamaño, proliferación, motilidad, expresión de proteína o expresión de ARN u otros cambios físicos o químicos según se pueden ensayar mediante procedimientos conocidos en la técnica. El cambio detectable también puede incluir expresión de genes/moléculas indicadoras tales como Proteína Verde Fluorescente (GFP) o diversas etiquetas que se usan para identificar una proteína expresada o cualquier otro componente celular que se pueda ensayar.

En una realización, la invención ofrece un kit que contiene una molécula de ANic de la invención, que está modificada químicamente, que se puede usar para modular la expresión de un gen en una célula, tejido u organismo. En otra realización, la invención presenta un kit que contiene más de una molécula de ANic de la invención, que está modificada químicamente, que se puede usar para modular la expresión de más de un gen diana en una célula, tejido u organismo.

En una realización, la invención ofrece un kit que contiene una molécula de ANic de la invención, que está modificada químicamente, que se puede usar para modular la expresión de un gen diana en un sistema biológico. En otra realización, la invención presenta un kit que contiene más de una molécula de ANic de la invención, que está modificada químicamente, que se puede usar para modular la expresión de más de un gen diana en un sistema biológico.

En una realización, la invención presenta una célula que contiene una o más moléculas de ANic de la invención, que están modificadas químicamente. En otra realización, la célula que contiene una molécula de ANic de la invención es una célula de mamífero. En otra realización más, la célula que contiene una molécula de ANic de la invención es una célula humana.

En una realización, la síntesis de una molécula de ANic de la invención, que se puede modificar químicamente, comprende: (a) síntesis de dos cadenas complementarias de la molécula de ANic; (b) hibridación de dos cadenas complementarias entre sí en condiciones adecuadas para obtener una molécula de ANic bicatenaria. En otra realización, la síntesis de las dos cadenas complementarias de la molécula de ANic es mediante síntesis de oligonucleótidos en fase sólida. En otra realización más, la síntesis de las dos cadenas complementarias de la molécula de ANic es mediante síntesis de oligonucleótidos en tándem en fase sólida.

En una realización, la invención ofrece un procedimiento para sintetizar una molécula de dúplex de ANic que comprende: (a) sintetizar una primera cadena de secuencia oligonucleotídica de la molécula de ANic, en la que la primera cadena de secuencia oligonucleotídica comprende una molécula de engarce escindible que se puede usar como un armazón para la síntesis de la segunda cadena de secuencia oligonucleotídica del ANic; (b) sintetizar la segunda cadena de secuencia oligonucleotídica de ANic en el armazón de la primera cadena de secuencia oligonucleotídica, en la que la segunda cadena de secuencia oligonucleotídica comprende además un resto químico que se puede usar para purificar el dúplex de ANic; (c) escindir la molécula de engarce de (a) en condiciones adecuadas para que las dos cadenas oligonucleotídicas de ANic se hibriden y formen un dúplex estable; y (d) purificar el dúplex de ANic utilizando el resto químico de la segunda cadena de secuencia oligonucleotídica. En una realización, la escisión de la molécula de engarce en (c) mencionada anteriormente tiene lugar durante la desprotección del oligonucleótido, por ejemplo en condiciones de hidrólisis usando una base de alquilamina tal como metilamina. En una realización, el procedimiento de síntesis comprende síntesis en fase sólida sobre un soporte sólido tal como vidrio de tamaño de poro controlado (CPG) o poliestireno, en el que la primera secuencia de (a) se sintetiza en un engarce escindible, tal como un engarce de succinilo, usando el soporte sólido como un armazón. El engarce escindible en (a) usado como un armazón para sintetizar la segunda cadena puede comprender reactividad similar a la del engarce derivatizado de soporte sólido, de forma que la escisión del engarce derivatizado de soporte sólido y el engarce escindible de (a) tiene lugar de forma conjunta. En otra realización, el resto químico de (b) que se puede usar para aislar la secuencia oligonucleotídica unida comprende un grupo tritilo, por ejemplo un grupo dimetoxitritilo, que se puede emplear en una estrategia de síntesis sobre tritilo como se describe en el presente documento. En otra realización más, el resto químico, tal como un grupo dimetoxitritilo, se elimina durante la purificación, por ejemplo, usando condiciones ácidas.

En una realización adicional, el procedimiento para la síntesis de ANic es una síntesis en fase de solución o síntesis en fase híbrida en la que ambas cadenas del dúplex de ANic se sintetizan en tándem usando un engarce escindible unido a la primera secuencia que actúa como un armazón para la síntesis de la segunda secuencia. La

escisión del engarce en condiciones adecuadas para la hibridación de las cadenas de la secuencia de ANic separadas da como resultado la formación de la molécula de ANic bicatenaria.

En otra realización, la invención ofrece un procedimiento para sintetizar una molécula de dúplex de ANic que comprende: (a) sintetizar una cadena de secuencia oligonucleotídica de la molécula de ANic, en la que la secuencia comprende una molécula de engarce escindible que se puede usar como un almacén para la síntesis de otra secuencia oligonucleotídica; (b) sintetizar una segunda secuencia oligonucleotídica que tiene complementariedad con la primera cadena de secuencia en el almacén de (a), en la que la segunda secuencia comprende la otra cadena de la molécula de ANic bicatenaria y en la que la segunda secuencia comprende además un resto químico que se puede usar para aislar la secuencia oligonucleotídica unida; (c) purificar el producto de (b) utilizando el resto químico de la segunda cadena de secuencia oligonucleotídica en condiciones adecuadas para aislar la secuencia de longitud completa, que comprende ambas cadenas oligonucleotídicas de ANic conectadas mediante el engarce escindible y en condiciones adecuadas para que las dos cadenas oligonucleotídicas de ANic se hibriden y formen un dúplex estable. En una realización, la escisión de la molécula de engarce en (c) mencionada anteriormente tiene lugar durante la desprotección del oligonucleótido, por ejemplo en condiciones de hidrólisis. En otra realización, la escisión de la molécula de engarce en (c) mencionada anteriormente tiene lugar después de la desprotección del oligonucleótido. En otra realización, el procedimiento de síntesis comprende la síntesis en fase sólida sobre un soporte sólido tal como vidrio de tamaño de poro controlado (CPG) o poliestireno, en la que la primera secuencia de (a) se sintetiza sobre un engarce escindible, tal como un engarce de succinilo, usando el soporte sólido como un almacén. El engarce escindible en (a) usado como un almacén para sintetizar la segunda cadena puede comprender una reactividad similar o una reactividad diferente a la del engarce derivatizado del soporte sólido, de forma que la escisión del engarce derivatizado del soporte sólido y el engarce escindible de (a) tiene lugar de forma conjunta o secuencial. En una realización, el resto químico de (b) que se puede usar para aislar la secuencia oligonucleotídica unida comprende un grupo tritilo, por ejemplo, un grupo dimetoxitritilo.

En otra realización, la invención ofrece un procedimiento para preparar una molécula de ANic bicatenaria en un procedimiento sintético único que comprende: (a) sintetizar un oligonucleótido que tiene una primera y una segunda secuencia, en el que la primera secuencia es complementaria a la segunda secuencia y la primera secuencia oligonucleotídica está unida a la segunda secuencia a través de un engarce escindible y en el que un grupo protector 5'-terminal, por ejemplo, un grupo 5'-O-dimetoxitritilo (5'-O-DMT) permanece en el oligonucleótido que tiene la segunda secuencia; (b) desproteger el oligonucleótido mediante lo cual la desprotección da como resultado la escisión del engarce que une las dos secuencias oligonucleotídicas, y (c) purificar el producto de (b) en condiciones adecuadas para aislar la molécula de ANic bicatenaria, por ejemplo, usando una estrategia de síntesis sobre tritilo, como se describe en el presente documento.

En otra realización, el procedimiento de síntesis de moléculas de ANic de la invención comprende las enseñanzas de Scaringe y col., Patentes de los Estados Unidos N° 5.889.136; 6.008.400; y 6.111.086.

En una realización, la invención ofrece construcciones de ANic como se definen en las reivindicaciones, que median la iARN frente a un gen diana, en la que la construcción de ANic comprende modificaciones químicas descritas en el presente documento que modulan la afinidad de unión entre las cadenas con sentido y antisentido de la construcción de ANic.

En una realización, la invención ofrece construcciones de ANic como se definen en las reivindicaciones, que median la iARN en una célula o sistema reconstituido, en las que la construcción de ANic comprende modificaciones químicas descritas en el presente documento que modulan la afinidad de unión entre la cadena antisentido de la construcción de ANic y una secuencia de ARN diana complementaria dentro de una célula.

En una realización, la invención ofrece construcciones de ANic como se definen en las reivindicaciones, que median la iARN en una célula o sistema reconstituido, en las que la construcción de ANic comprende modificaciones químicas descritas en el presente documento que modulan la afinidad de unión entre la cadena antisentido de la construcción de ANic y una secuencia de ADN diana complementaria dentro de una célula.

En una realización, la invención ofrece construcciones de ANic como se definen en las reivindicaciones, que median la iARN en una célula o sistema reconstituido, en las que la construcción de ANic comprende modificaciones químicas descritas en el presente documento que modulan la actividad polimerasa de una polimerasa celular capaz de generar moléculas de ANic endógenas adicionales que tienen homología de secuencia con la construcción de ANic modificada químicamente.

En una realización, la invención ofrece construcciones de ANic modificadas químicamente que median la iARN en una célula o sistema reconstituido, en las que las modificaciones químicas no afectan de forma significativa a la interacción de ANic con una molécula de ARN, molécula de ADN y/o proteínas u otros factores diana que son esenciales para la iARN de una manera que disminuiría la eficacia de la iARN mediada por tales construcciones de

ANic.

En una realización, la invención ofrece construcciones de ANic como se definen en las reivindicaciones, que median la iARN en una célula o sistema reconstituido, en las que la construcción de ANic comprende una o más modificaciones descritas en el presente documento que modulan la captación celular de la construcción de ANic.

- 5 En una realización, la invención ofrece construcciones de ANic como se definen en las reivindicaciones que median la iARN frente a un gen diana, en las que la construcción de ANic comprende modificaciones químicas descritas en el presente documento que aumentan la biodisponibilidad de la construcción de ANic, por ejemplo, uniendo conjugados poliméricos tales como polietilenglicol o conjugados equivalentes que mejoran la farmacocinética de la construcción de ANic, o uniendo conjugados que se dirigen a tipos tisulares o tipos celulares específicos *in vivo*. Se describen ejemplos no limitantes de tales conjugados por Vargeese y col., N° de Serie de los Estados Unidos 10/201.394 incorporado en el presente documento por referencia.

- 10 En una realización, la invención ofrece un procedimiento para generar moléculas de ANic de la invención con una biodisponibilidad mejorada, que comprende (a) introducir un conjugado en la estructura de una molécula de ANic y (b) ensayar la molécula de ANic de la etapa (a) en condiciones adecuadas para aislar moléculas de ANic que tienen una biodisponibilidad mejorada. Tales conjugados pueden incluir ligandos para receptores celulares, tales como péptidos obtenidos a partir de ligandos de proteínas de origen natural; secuencias de localización de proteínas, incluyendo secuencias de código postal celular; anticuerpos, aptámeros de ácido nucleico; vitaminas y otros cofactores, tales como folato y N-acetilgalactosamina; polímeros, tales como polietilenglicol (PEG), fosfolípidos, poliaminas, tales como espermina o spermidina y otros.

- 15 En otra realización, la invención ofrece un procedimiento para generar moléculas de ANic de la invención con una biodisponibilidad mejorada que comprende (a) introducir una formulación de excipiente en una molécula de ANic y (b) ensayar la molécula de ANic de la etapa (a) en condiciones adecuadas para aislar moléculas de ANic que tienen una biodisponibilidad mejorada. Tales excipientes incluyen polímeros tales como ciclodextrinas, lípidos, lípidos catiónicos, poliaminas, fosfolípidos y otros.

- 20 En otra realización, se puede unir covalentemente polietilenglicol (PEG) a compuestos de ANic de la presente invención. El PEG unido puede ser de cualquier peso molecular, preferentemente de aproximadamente 2.000 a aproximadamente 50.000 daltons (Da).

- 25 La presente invención se puede usar sola o como un componente de un kit que tenga al menos uno de los reactivos necesarios para llevar a cabo la introducción *in vitro* o *in vivo* de ARN para ensayar muestras y/o sujetos. Por ejemplo, los componentes preferidos del kit incluyen una molécula de ANic de la invención y un vehículo que promueve la introducción del ANic en células de interés como se describe en el presente documento (por ejemplo, usando lípidos y otros procedimientos de transfección conocidos en la técnica, véase por ejemplo Beigelman y col., documento US 6.395.713). El kit se puede usar para validación de diana, tal como para determinar la función y/o actividad génica o en la optimización de fármacos y en descubrimiento de fármacos (véase, por ejemplo Usman y col., USSN 60/402.996). Un kit de este tipo también puede incluir instrucciones para permitir a un usuario del kit poner en práctica la invención.

- 30 Las expresiones “ácido nucleico de interferencia corto”, “ANic”, “ARN de interferencia corto”, “ARNic”, “molécula de ácido nucleico de interferencia corto”, “molécula oligonucleotídica de interferencia corta” o “molécula de ácido nucleico de interferencia corto modificado químicamente”, como se usan en el presente documento, se refieren a cualquier molécula de ácido nucleico capaz de inhibir o regular negativamente la expresión génica o replicación viral, por ejemplo, por mediación de la interferencia de ARN “iARN” o el silenciamiento génico de una manera específica de secuencia; véase, por ejemplo Bass, 2001, Nature, 411, 428-429; Elbashir y col., 2001, Nature, 411, 494-498; y Kreutzer y col., Publicación Internacional PCT N° WO 00/44895; Zernicka-Goetz y col., Publicación Internacional PCT N° WO 01/36646; Fire, Publicación Internacional PCT N° WO 99/32619; Plaetinck y col., Publicación Internacional PCT N° WO 00/01846; Mello y Fire, Publicación Internacional PCT N° WO 01/29058; Deschamps-Depaillette, Publicación Internacional PCT N° WO 99/07409; y Li y col., Publicación Internacional PCT N° WO 00/44914; Allshire, 2002, Science, 297, 1818-1819; Volpe y col., 2002, Science, 297, 1833-1837; Jenuwein, 2002, Science, 297, 2215-2218; y Hall y col., 2002, Science, 297, 2232-2237; Hutvagner y Zamore, 2002, Science, 297, 2056-60; McManus y col., 2002, RNA, 8, 842-850; Reinhart y col., 2002, Gene & Dev., 16, 1616-1626; y Reinhart y Bartel, 2002, Science, 297, 1831). Se muestran ejemplos no limitantes de moléculas de ANic de la invención en las Figuras 4-6, y las Tablas II, III y IV en el presente documento. Por ejemplo, el ANic puede ser una molécula polinucleotídica bicatenaria que comprende regiones con sentido y antisentido autocomplementarias, en la que la región antisentido comprende una secuencia de nucleótidos que es complementaria a la secuencia de nucleótidos de una molécula de ácido nucleico diana o una parte de la misma, y la región con sentido tiene una secuencia de nucleótidos correspondiente a la secuencia de ácido nucleico diana o una parte de la misma. El ANic se puede ensamblar a partir de dos oligonucleótidos separados, donde una cadena es la cadena con sentido y la

otra es la cadena antisentido, en el que las cadenas antisentido y con sentido son autocomplementarias (es decir, cada cadena comprende una secuencia de nucleótidos que es complementaria a la secuencia de nucleótidos de la otra cadena; tal como donde la cadena antisentido y la cadena con sentido forman un dúplex o una estructura bicatenaria, por ejemplo, en la que la región bicatenaria tiene aproximadamente 19 pares de bases); la cadena antisentido comprende una secuencia de nucleótidos que es complementaria a la secuencia de nucleótidos de una molécula de ácido nucleico diana o una parte de la misma, y la cadena con sentido comprende una secuencia de nucleótidos correspondiente a la secuencia de ácido nucleico diana o una parte de la misma. Como alternativa, el ANic se ensambla a partir de un solo oligonucleótido, donde las regiones con sentido y antisentido autocomplementarias del ANic se unen por medio de un engarce o engarces basados en ácido nucleico o no basados en ácido nucleico. El ANic puede ser un polinucleótido con una estructura secundaria de horquilla, que tiene regiones con sentido y antisentido autocomplementarias, en el que la región antisentido comprende una secuencia de nucleótidos que es complementaria a la secuencia de nucleótidos de una molécula de ácido nucleico diana separada o una parte de la misma, y la región con sentido tiene una secuencia de nucleótidos que corresponde a la secuencia de ácido nucleico diana o una parte de la misma. El ANic puede ser un polinucleótido monocatenario circular que tiene dos o más estructuras de bucle y un tallo que comprende regiones con sentido y antisentido autocomplementarias, en el que la región antisentido comprende una secuencia de nucleótidos que es complementaria a la secuencia de nucleótidos de una molécula de ácido nucleico diana o una parte de la misma, y la región con sentido tiene una secuencia de nucleótidos correspondiente a la secuencia de ácido nucleico diana o una parte de la misma, y en la que el polinucleótido circular se puede procesar *in vivo* o *in vitro* para generar una molécula de ANic activa capaz de mediar la iARN. El ANic también puede comprender un polinucleótido monocatenario que tiene una secuencia de nucleótidos complementaria a una secuencia de nucleótidos en una molécula de ácido nucleico diana o una parte de la misma (por ejemplo, donde tal molécula de ANic no requiere la presencia dentro de la molécula de ANic de una secuencia de nucleótidos correspondiente a la secuencia de ácido nucleico diana o una parte de la misma), en el que el polinucleótido monocatenario puede comprender además un grupo fosfato terminal, tal como un 5'-fosfato (véase por ejemplo Martínez y col., 2002, Cell., 110, 563-574 y Schwarz y col., 2002, Molecular Cell, 10, 537-568), o un 5',3'-difosfato. En determinada realización, la molécula de ANic de la invención comprende secuencias o regiones con sentido y antisentido separadas, en la que las regiones con sentido y antisentido están unidas covalentemente por moléculas de engarce nucleotídicas o no nucleotídicas como se conocen en la técnica o están unidas no covalentemente, y de manera alternativa, mediante interacciones iónicas, puentes de hidrógeno, interacciones de van der Waals, interacciones hidrófobas y/o interacciones de apilamiento. En determinadas realizaciones, las moléculas de ANic de la invención comprenden una secuencia de nucleótidos que es complementaria a la secuencia de nucleótidos de un gen diana. En otra realización, la molécula de ANic de la invención interacciona con la secuencia de nucleótidos de un gen diana de una manera que provoca la inhibición de la expresión del gen diana. Como se usan en el presente documento, las moléculas de ANic no tienen que limitarse a aquellas moléculas que contienen sólo ARN, sino que además abarcan nucleótidos modificados químicamente y no nucleótidos. En determinadas realizaciones, las moléculas de ácido nucleico de interferencia corto de la invención carecen de nucleótidos que contienen 2'-hidroxi (2'-OH). El presente solicitante describe en determinadas realizaciones ácidos nucleicos de interferencia cortos que no requieren la presencia de nucleótidos que tengan un grupo 2'-hidroxi para mediar la iARN y como tales, las moléculas de ácido nucleico de interferencia corto de la invención opcionalmente no incluyen ningún ribonucleótido (por ejemplo, nucleótidos que tienen un grupo 2'-OH). Tales moléculas de ANic que no requieren la presencia de ribonucleótidos dentro de la molécula de ANic para apoyar la iARN pueden, sin embargo, tener un engarce o engarces unidos u otros grupos, restos o cadenas unidos o asociados que contengan uno o más nucleótidos con grupos 2'-OH. Opcionalmente, las moléculas de ANic pueden comprender ribonucleótidos en aproximadamente el 5, 10, 20, 30, 40 o 50% de las posiciones de nucleótidos. Las moléculas de ácido nucleico de interferencia corto modificadas de la invención también se pueden denominar oligonucleótidos modificados de interferencia cortos "OMic". Como se usa en el presente documento, el término ANic tiene por objeto ser equivalente a otros términos usados para describir moléculas de ácido nucleico que son capaces de mediar la iARN específica de secuencia, por ejemplo ARN de interferencia corto (ARNic), ARN bicatenario (ARNbc), micro-ARN (miARN), ARN de horquilla corto (ARNhc), oligonucleótido de interferencia corto, ácido nucleico de interferencia corto, oligonucleótido modificado de interferencia corto, ARNic modificado químicamente, ARN de silenciamiento génico postranscripcional (ARNsgpt) y otros. Adicionalmente, como se usa en el presente documento, el término iARN tiene por objeto ser equivalente a otros términos usados para describir interferencia de ARN específica de secuencia, tales como silenciamiento génico postranscripcional o epigenética. Por ejemplo, las moléculas de ANic de la invención se pueden usar para silenciar epigenéticamente genes a nivel tanto postranscripcional como a nivel pretranscripcional. En un ejemplo no limitante, la regulación epigenética de la expresión génica mediante moléculas de ANic de la invención se puede obtener como resultado a partir de la modificación mediada por ANic de la estructura de cromatina para alterar la expresión génica (véase, por ejemplo, Allshire, 2002, Science, 297, 1818-1819; Volpe y col., 2002, Science, 297, 1833-1837; Jenuwein, 2002, Science, 297, 2215-2218; y Hall y col., 2002, Science, 297, 2232-2237).

Por "modular" se quiere significar que la expresión del gen o el nivel de moléculas de ARN o moléculas de ARN equivalentes que codifican una o más proteínas o subunidades de proteína, o la actividad de una o más proteínas

o subunidades de proteínas se regula positivamente o negativamente, de forma que la expresión, el nivel o la actividad es mayor que o menor que el observado en ausencia del modulador. Por ejemplo, el término “modular” puede significar “inhibir”, pero el uso de la palabra “modular” no está limitado a esta definición.

- 5 Por “inhibir” se quiere significar que la actividad de un producto de expresión génica o nivel de ARN o ARN equivalentes que codifican uno o más productos génicos se reduce por debajo del observado en ausencia de la molécula de ácido nucleico de la invención. En una realización, la inhibición con una molécula de ANic preferentemente está por debajo de ese nivel observado en presencia de una molécula inactiva o atenuada que no es capaz de mediar una respuesta de iARN. En otra realización, la inhibición de expresión génica con la molécula de ANic de la presente invención es mayor en presencia de la molécula de ANic que en su ausencia.
- 10 Por “inhibir”, “regular negativamente” o “reducir”, quieren significar que la expresión del gen o el nivel de moléculas de ARN o moléculas de ARN equivalentes que codifican una o más proteínas o subunidades de proteína, o la actividad de una o más proteínas o subunidades de proteínas, está reducida por debajo de la observada en ausencia de las moléculas de ácido nucleico (por ejemplo, ANic) de la invención. En una realización, la inhibición, regulación negativa o reducción con una molécula de ANic es inferior a ese nivel observado en presencia de una
- 15 molécula inactiva o atenuada. En otra realización, la inhibición, regulación negativa o reducción con moléculas de ANic es inferior a ese nivel observado en presencia de, por ejemplo, una molécula de ANic con secuencia desorganizada o con emparejamientos erróneos. En otra realización, la inhibición, regulación negativa o reducción de la expresión génica con una molécula de ácido nucleico de la presente invención es mayor en presencia de la molécula de ácido nucleico que en su ausencia.
- 20 Por “gen” o “gen diana” quieren significar un ácido nucleico que codifica un ARN, por ejemplo, secuencias de ácido nucleico que incluyen, pero sin limitación, genes estructurales que codifican un polipéptido. El gen diana puede ser un gen obtenido a partir de una célula, un gen endógeno, un transgén o genes exógenos tales como genes de un patógeno, por ejemplo, un virus, que está presente en la célula después de la infección de la misma. La célula que contiene el gen diana se puede obtener a partir de o estar contenida en cualquier organismo, por ejemplo una
- 25 planta, animal, protozoo, virus, bacteria u hongo. Los ejemplos no limitantes de plantas incluyen monocotiledóneas, dicotiledóneas o gimnospermas. Los ejemplos no limitantes de animales incluyen vertebrados o invertebrados. Los ejemplos no limitantes de hongos incluyen mohos o levaduras.
- Por gen “endógeno” o “celular” quieren significar un gen que se encuentra normalmente en una célula en su localización natural en el genoma. Por ejemplo, HER-2, VEGF, VEGF-R, EGFR, BCL-2, c-MYC, RAS y similares
- 30 se considerarían un gen endógeno. Los genes expresados en una célula a partir de un plásmido, vector viral u otros vectores o a partir de virus, bacterias, hongos se considerarían genes “extraños” o “heterólogos”; tales genes no se encuentran normalmente en la célula huésped, sino que se introducen mediante técnicas de transferencia génica convencionales o como resultado de una infección por un virus, bacteria u otro agente infeccioso.
- 35 Por “familia de genes” se quiere significar un grupo de más de una molécula de ácido nucleico que comparte al menos una característica común, tal como homología de secuencia, especificidad de diana, modo de acción, estructura secundaria o la capacidad de modular un proceso o más de un proceso en un sistema biológico. La familia de genes puede ser de origen viral o celular. La familia de genes puede codificar, por ejemplo, grupos de citocinas, receptores, factores de crecimiento, proteínas adaptadoras, proteínas estructurales y otros epítomos de proteína.
- 40 Por “familia de proteína” se quiere significar un grupo de más de una proteína, péptido o polipéptido que comparten al menos una característica común, tal como homología de secuencia, especificidad de diana, modo de acción, estructura secundaria o la capacidad de modular un proceso o más de un proceso en un sistema biológico. La familia de proteínas puede ser de origen viral o celular. La familia de proteínas puede codificar, por ejemplo,
- 45 grupos de citocinas, receptores, factores de crecimiento, proteínas adaptadoras, proteínas estructurales y otros epítomos de proteínas.
- Por “región de secuencia altamente conservada” se quiere significar una secuencia de nucleótidos de una o más regiones en un gen diana que no varía significativamente de una generación a la otra o de un sistema biológico al otro.
- 50 Por “cáncer” se quiere significar un grupo de enfermedades caracterizadas por un crecimiento y propagación descontrolada de células anormales.
- “Región con sentido” significa una secuencia de nucleótidos de una molécula de ANic que tiene complementariedad con una región antisentido de la molécula de ANic. Adicionalmente, la región con sentido de una molécula de ANic puede comprender una secuencia de ácido nucleico que tiene homología con una secuencia de ácido nucleico diana.

Por "región antisentido" se quiere significar una secuencia de nucleótidos de una molécula de ANic que tiene complementariedad con una secuencia de ácido nucleico diana. Adicionalmente, la región antisentido de una molécula de ANic puede opcionalmente comprender una secuencia de ácido nucleico que tiene complementariedad con una región con sentido de la molécula de ANic.

- 5 Por "ácido nucleico diana" se quiere significar cualquier secuencia de ácido nucleico cuya expresión o actividad se tiene que modular. El ácido nucleico diana puede ser ADN o ARN.

Por "complementariedad" se quiere significar que un ácido nucleico puede formar un enlace o enlaces de hidrógeno con otra secuencia de ácido nucleico mediante Watson-Crick tradicional u otros tipos no tradicionales. En referencia a las moléculas de ácido nucleico de la presente invención, la energía libre de unión para una molécula de ácido nucleico con su secuencia complementaria es suficiente para permitir que se desarrolle la función pertinente del ácido nucleico, por ejemplo, la actividad de iARN. La determinación de las energías libres de unión de moléculas de ácido nucleico se conoce bien en la técnica (véase, por ejemplo, Turner y col., 1987, CSH Symp. Quant. Biol. LII págs. 123-133; Frier y col., 1986, Proc. Nat. Acad. Sci. USA 83: 9373-9377; Turner y col., 1987, J. Am. Chem. Soc. 109: 3783-3785). Un porcentaje de complementariedad indica el porcentaje de restos contiguos en una molécula de ácido nucleico que pueden formar enlaces de hidrógeno (por ejemplo, emparejamiento de bases de Watson-Crick) con una segunda secuencia de ácido nucleico (por ejemplo, 5, 6, 7, 8, 9, 10 de 10 teniendo una complementariedad del 50%, 60%, 70%, 80%, 90% y 100%). "Perfectamente complementario" significa que todos los restos contiguos de una secuencia de ácido nucleico se unirán mediante enlaces de hidrógeno con el mismo número de restos contiguos en una segunda secuencia de ácido nucleico.

20 Las moléculas de ANic de la invención ofrecen un enfoque terapéutico novedoso para una amplia variedad de enfermedades y afecciones, incluyendo cáncer o enfermedad cancerosa, enfermedad infecciosa, enfermedad cardiovascular, enfermedad neurológica, enfermedad priónica, enfermedad inflamatoria, enfermedad autoinmune, enfermedad pulmonar, enfermedad renal, enfermedad hepática, enfermedad mitocondrial, enfermedad endocrina, enfermedades y afecciones relacionadas con la reproducción y cualquier otro indicio que pueda responder al nivel de un producto génico expresado en una célula u organismo.

En una realización de la presente invención, cada secuencia de una molécula de ANic de la invención tiene independientemente de aproximadamente 18 a aproximadamente 24 nucleótidos de longitud, en realizaciones específicas aproximadamente 18, 19, 20, 21, 22, 23 ó 24 nucleótidos de longitud. En otra realización, los dúplex de ANic de la invención comprenden independientemente de aproximadamente 17 a aproximadamente 23 pares de bases (por ejemplo, aproximadamente 17, 18, 19, 20, 21, 22 ó 23). En otra realización más, las moléculas de ANic de la invención que comprenden estructuras de horquilla o circulares tienen de aproximadamente 35 a aproximadamente 55 (por ejemplo, aproximadamente 35, 40, 45, 50 ó 55) nucleótidos de longitud o de aproximadamente 38 a aproximadamente 44 (por ejemplo, 38, 39, 40, 41, 42, 43 ó 44) nucleótidos de longitud y comprenden de aproximadamente 16 a aproximadamente 22 (por ejemplo, aproximadamente 16, 17, 18, 19, 20, 21 ó 22) pares de bases. Se muestran moléculas de ANic ilustrativas de la invención en la **Tabla II**. Se muestran moléculas de ANic sintéticas ilustrativas de la invención en la **Tabla I** y/o en las **Figuras 18-19**.

Como se usa en el presente documento, "célula" se usa en su sentido biológico habitual y no se refiere a un organismo multicelular completo, por ejemplo, no se refiere específicamente a un ser humano. La célula puede estar presente como un organismo, por ejemplo, aves, plantas y mamíferos tales como seres humanos, vacas, ovejas, simios, monos, cerdos, perros y gatos. La célula puede ser procariota o eucariota (por ejemplo, célula de mamífero o vegetal). La célula puede ser de origen somático o de línea germinal no humana, totipotente o pluripotente, con capacidad de división o sin capacidad de división. La célula también se puede obtener a partir de o puede comprender un gameto no humano o un embrión no humano, una célula madre excepto una célula ES humana, o una célula completamente diferenciada.

45 Las moléculas de ANic de la invención se añaden directamente, o pueden formar complejos con lípidos catiónicos, empaquetarse dentro de liposomas o suministrarse de otra manera a células o tejidos diana. El ácido nucleico o los complejos de ácido nucleico se pueden administrar localmente a los tejidos pertinentes *ex vivo* o *in vivo* a través de inyección, bomba de infusión o endoprótesis vascular, con o sin su incorporación en biopolímeros. En realizaciones particulares, las moléculas de ácido nucleico de la invención comprenden secuencias mostradas en las **Tablas I-II** y/o en las **Figuras 18-19**. Los ejemplos de tales moléculas de ácido nucleico consisten básicamente en secuencias definidas en estas tablas y figuras. Adicionalmente, las construcciones modificadas químicamente descritas en la **Tabla IV** se pueden aplicar a cualquier secuencia de ANic de la invención.

En otro aspecto, la invención proporciona células de mamífero que contienen una o más moléculas de ANic de la presente invención. La una o más moléculas de ANic pueden dirigirse independientemente al mismo sitio o a sitios diferentes.

Por "ARN" se quiere significar una molécula que comprende al menos un resto de ribonucleótido. "Ribonucleótido"

significa un nucleótido con un grupo hidroxilo en la posición 2' de un resto de β -D-ribofuranosa. Los términos incluyen ARN bicatenario, ARN monocatenario, ARN aislado tal como ARN purificado parcialmente, ARN esencialmente puro, ARN sintético, ARN producido de forma recombinante, así como ARN alterado que difiere del ARN de origen natural por la adición, delección, sustitución y/o alteración de uno o más nucleótidos. Tales alteraciones pueden incluir la adición de material no nucleotídico, tal como al extremo o extremos del ANic o internamente, por ejemplo en uno o más nucleótidos del ARN. Los nucleótidos en las moléculas de ARN de la presente invención también pueden comprender nucleótidos no convencionales, tales como nucleótidos de origen no natural o nucleótidos o desoxinucleótidos sintetizados químicamente. Estos ARN alterados se pueden denominar análogos o análogos de ARN de origen natural.

Por "sujeto" se quiere significar un organismo, que es un donante o receptor de células explantadas o las propias células. "Sujeto" también se refiere a un organismo al que se pueden administrar las moléculas de ácido nucleico de la invención. En una realización, un sujeto es un mamífero o células de mamífero. En otra realización, un sujeto es un ser humano o células humanas.

El término "fosforotioato", como se usa en el presente documento, se refiere a enlaces internucleotídicos tanto de fosforotioato como de fosforoditioato.

La expresión "base universal", como se usa en el presente documento, se refiere a análogos de bases de nucleótidos que forman pares de bases con cada una de las bases de ADN/ARN naturales con escasa discriminación entre las mismas. Los ejemplos no limitantes de bases universales incluyen C-fenilo, C-naftilo y otros derivados aromáticos, inosina, azol carboxamidas y derivados de nitroazol tales como 3-nitropirrol, 4-nitroindol, 5-nitroindol y 6-nitroindol como se conocen en la técnica (véase, por ejemplo, Loakes, 2001, Nucleic Acids Research, 29, 2437-2447).

La expresión "nucleótido acíclico" como se usa en el presente documento, se refiere a cualquier nucleótido que tiene un azúcar de ribosa acíclica, por ejemplo, donde cualquiera de los carbonos de ribosa (C1, C2, C3, C4 o C5) están ausentes del nucleótido independientemente o en combinación.

Las moléculas de ácido nucleico de la presente invención, individualmente, o en combinación o junto con otros fármacos, se pueden usar para tratar enfermedades o afecciones analizadas en el presente documento. Por ejemplo, para tratar una enfermedad o afección particular, las moléculas de ANic se pueden administrar a un sujeto o se pueden administrar a otras células apropiadas evidentes para los expertos en la materia, individualmente o en combinación con uno o más fármacos en condiciones adecuadas para el tratamiento.

En una realización adicional, las moléculas de ANic se pueden usar en combinación con otros tratamientos conocidos para tratar afecciones o enfermedades analizadas anteriormente. Por ejemplo, las moléculas descritas se podrían usar en combinación con uno o más agentes terapéuticos para tratar una enfermedad o afección. Los ejemplos no limitantes de otros agentes terapéuticos que se pueden combinar fácilmente con una molécula de ANic de la invención son moléculas de ácido nucleico enzimáticas, moléculas de ácido nucleico alostéricas, moléculas de ácido nucleico antisentido, señuelo o aptámero, anticuerpos tales como anticuerpos monoclonales, moléculas pequeñas y otros compuestos orgánicos y/o inorgánicos incluyendo metales, sales e iones.

En otra realización, la invención presenta una célula de mamífero, por ejemplo, una célula humana, que incluye un vector de expresión de la invención.

En otro aspecto de la invención, las moléculas de ARNic que interaccionan con moléculas de ARN diana y regulan negativamente moléculas de ARN diana que codifican genes (por ejemplo, moléculas de ARN diana a las que se hace referencia mediante el número de Acceso de Genbank en la Tabla III) se expresan a partir de unidades de transcripción insertadas en vectores de ADN o ARN. Los vectores recombinantes pueden ser vectores de ADN plasmídicos o virales. Los vectores virales que expresan ANic se pueden construir en base a, pero sin limitación, virus adenoasociados, retrovirus, adenovirus o alfavirus. Los vectores recombinantes capaces de expresar las moléculas de ANic se pueden suministrar como se ha descrito en el presente documento y persistir en células diana. Como alternativa, se pueden usar vectores virales que proporcionan la expresión transitoria de moléculas de ANic. Tales vectores se pueden administrar repetidamente según sea necesario. Una vez expresadas, las moléculas de ANic se unen y regulan negativamente la función génica o la expresión a través de interferencia de ARN (iARN). El suministro de vectores de expresión de ANic puede ser sistémico, tal como mediante administración intravenosa o intramuscular, mediante administración a células diana sometidas a explante a partir de un sujeto, seguida de la reintroducción en el sujeto, o mediante cualquier otro medio que permitiera la introducción en la célula diana deseada.

Por "vectores" quiere significar cualquier técnica basada en ácido nucleico y/o en virus para suministrar un ácido nucleico deseado.

Otras características y ventajas de la invención serán evidentes a partir de la siguiente descripción de las realizaciones preferidas de la misma, y a partir de las reivindicaciones.

Breve descripción de los dibujos

- 5 **La Figura 1** muestra un ejemplo no limitante de un esquema para la síntesis de moléculas de ANic. Las cadenas de secuencia de ANic complementarias, cadena 1 y cadena 2, se sintetizan en tándem y están conectadas por un enlace escindible, tal como un succinato de nucleótido o un succinato abásico, que puede ser el mismo o diferente del engarce escindible usado para la síntesis en fase sólida sobre un soporte sólido. La síntesis puede ser en fase sólida o en fase de solución, en el ejemplo mostrado, la síntesis es una síntesis en fase sólida. La síntesis se realiza de manera que un grupo protector, tal como un grupo dimetoxitritilo, permanece intacto sobre el nucleótido terminal del oligonucleótido en tándem. Después de la escisión y desprotección del oligonucleótido, las dos cadenas de ANic hibridan espontáneamente para formar un dúplex de ANic, que permite la purificación del dúplex utilizando las propiedades del grupo protector terminal, por ejemplo aplicando un procedimiento de purificación sobre tritilo en el que solamente se aíslan los dúplex/oligonucleótidos con el grupo protector terminal.
- 10 **La Figura 2** muestra un espectro de masas MALDI-TOV de un dúplex de ANic purificado sintetizado por un procedimiento de la invención. Los dos picos mostrados corresponden a la masa esperada de las cadenas de secuencia de ANic separadas. Este resultado demuestra que el dúplex de ANic generado a partir de la síntesis en tándem puede purificarse como una sola entidad usando una metodología de purificación sobre tritilo simple.
- 15 **La Figura 3** muestra los resultados de un ensayo de estabilidad usado para determinar la estabilidad en suero de las construcciones de ANic químicamente modificadas en comparación con un control de ANic que consiste en todo el ARN con terminaciones 3'-TT. Se muestran los valores de $T_{1/2}$ para la estabilidad del dúplex.
- La Figura 4** muestra los resultados de una exploración de la actividad de iARN de construcciones de ANic modificadas con fosforotioato usando un sistema indicador de luciferasa.
- 20 **La Figura 5** muestra los resultados de una exploración de la actividad de iARN de construcciones de ANic modificadas con fosforotioato y una base universal usando un sistema indicador de luciferasa.
- La Figura 6** muestra los resultados de una exploración de la actividad de iARN de construcciones de ANic modificadas con 2'-O-metilo usando un sistema indicador de luciferasa.
- 25 **La Figura 7** muestra los resultados de una exploración de la actividad de iARN de construcciones de ANic modificadas con 2'-O-metilo y 2'-desoxi-2'-fluoro usando un sistema indicador de luciferasa.
- 30 **La Figura 8** muestra los resultados de una exploración de la actividad de iARN de una construcción de ANic modificada con fosforotioato usando un sistema indicador de luciferasa.
- La Figura 9** muestra los resultados de una exploración de la actividad de iARN de una construcción de ANic con modificaciones abásicas desoxi invertidas generada mediante síntesis en tándem usando un sistema indicador de luciferasa.
- 35 **La Figura 10** muestra el resultado de una exploración de la actividad de iARN de construcciones de ANic químicamente modificadas que incluyen construcciones de ANic modificadas con 3'-glicerilo en comparación con una construcción de ANic de control todo de ARN usando un sistema indicador de luciferasa. Estos ANic químicamente modificados se compararon en el ensayo de luciferasa descrito en el presente documento a una concentración 1 nM y 10 nM usando un control de ANic todo de ARN (siGL2) que tiene ditimidina (TT) 3'-terminal y su correspondiente control invertido (Inv siGL2). El nivel de fondo de la expresión de luciferasa en células HeLa se indica por la columna "células". Las cadenas con sentido y antisentido de construcciones de ANic químicamente modificadas se muestran mediante el número RPI (cadena con sentido/cadena antisentido). Las secuencias correspondientes a estos números RPI se muestran en la Tabla I.
- 40 **La Figura 11** muestra los resultados de una exploración de la actividad de iARN de construcciones de ANic químicamente modificadas. La exploración comparó diversas combinaciones de modificaciones químicas de cadenas con sentido y modificaciones químicas de cadenas antisentido. Estos ANic químicamente modificados se compararon en el ensayo de luciferasa descrito en el presente documento a una concentración de 1 nM y 10 nM usando un control de ANic todo de ARN (siGL2) que tiene ditimidina (TT) 3'-terminal y su correspondiente control invertido (Inv siGL2). El nivel de fondo de la expresión de luciferasa en las células HeLa se indica mediante la columna "células". Las cadenas con sentido y antisentido de las construcciones de ANic químicamente modificadas se muestran por el número RPI (cadena con sentido/cadena antisentido). Las secuencias correspondientes a estos números RPI se muestran en la Tabla I.
- 45 **La Figura 11** muestra los resultados de una exploración de la actividad de iARN de construcciones de ANic químicamente modificadas. La exploración comparó diversas combinaciones de modificaciones químicas de cadenas con sentido y modificaciones químicas de cadenas antisentido. Estos ANic químicamente modificados se compararon en el ensayo de luciferasa descrito en el presente documento a una concentración de 1 nM y 10 nM usando un control de ANic todo de ARN (siGL2) que tiene ditimidina (TT) 3'-terminal y su correspondiente control invertido (Inv siGL2). El nivel de fondo de la expresión de luciferasa en las células HeLa se indica mediante la columna "células". Las cadenas con sentido y antisentido de las construcciones de ANic químicamente modificadas se muestran por el número RPI (cadena con sentido/cadena antisentido). Las secuencias correspondientes a estos números RPI se muestran en la Tabla I.
- 50 **La Figura 11** muestra los resultados de una exploración de la actividad de iARN de construcciones de ANic químicamente modificadas. La exploración comparó diversas combinaciones de modificaciones químicas de cadenas con sentido y modificaciones químicas de cadenas antisentido. Estos ANic químicamente modificados se compararon en el ensayo de luciferasa descrito en el presente documento a una concentración de 1 nM y 10 nM usando un control de ANic todo de ARN (siGL2) que tiene ditimidina (TT) 3'-terminal y su correspondiente control invertido (Inv siGL2). El nivel de fondo de la expresión de luciferasa en las células HeLa se indica mediante la columna "células". Las cadenas con sentido y antisentido de las construcciones de ANic químicamente modificadas se muestran por el número RPI (cadena con sentido/cadena antisentido). Las secuencias correspondientes a estos números RPI se muestran en la Tabla I.

La Figura 12 muestra los resultados de una exploración de la actividad de iARN de construcciones de ANic químicamente modificadas. La exploración comparó diversas combinaciones de modificaciones químicas de cadenas con sentido y modificaciones químicas de cadenas antisentido. Estos ANic químicamente modificados se compararon en el ensayo de luciferasa descrito en el presente documento a una concentración de 1 nM y 10 nM usando un control de ANic todo de ARN (siGL2) que tiene ditimidina (TT) 3'-terminal y su correspondiente control invertido (Inv siGL2). El nivel de fondo de la expresión de luciferasa en las células HeLa se indica mediante la columna "células". Las cadenas con sentido y antisentido de las construcciones de ANic químicamente modificadas se muestran por el número RPI (cadena con sentido/cadena antisentido). Las secuencias correspondientes a estos números RPI se muestran en la Tabla I. Además, la cadena antisentido en solitario (RPI 30430) y un control invertido (RPI 30227/30229, que tiene la misma química que RPI 30063/30224) se comparó con los dúplex de ANic descritos anteriormente.

La Figura 13 muestra los resultados de una exploración de la actividad de iARN de construcciones de ANic químicamente modificadas. La exploración comparó diversas combinaciones de modificaciones químicas de cadenas con sentido y modificaciones químicas de cadenas antisentido. Estos ANic químicamente modificados se compararon en el ensayo de luciferasa descrito en el presente documento a una concentración de 1 nM y 10 nM usando un control de ANic todo de ARN (siGL2) que tiene ditimidina (TT) 3'-terminal y su correspondiente control invertido (Inv siGL2). El nivel de fondo de la expresión de luciferasa en las células HeLa se indica por la columna "células". Las cadenas con sentido y antisentido de las construcciones de ANic químicamente modificadas se muestran por el número RPI (cadena con sentido/cadena antisentido). Las secuencias correspondientes a estos números RPI se muestran en la Tabla I. Además, un control invertido (RPI 30226/30229, que tiene la misma química que RPI 30222/30224) se comparó con los dúplex de ANic descritos anteriormente.

La Figura 14 muestra los resultados de una exploración de la actividad de iARN de construcciones de ANic químicamente modificadas que incluyen diversas construcciones de ANic modificadas en posición 3'-terminal en comparación con una construcción de ANic de control toda de ARN usando un sistema indicador de luciferasa. Estos ANic químicamente modificados se compararon en el ensayo de luciferasa descrito en el presente documento a una concentración de 1 nM y 10 nM usando un control de ANic todo de ARN (siGL2) que tiene ditimidina (TT) 3'-terminal y su correspondiente control invertido (Inv siGL2). El nivel de fondo de la expresión de luciferasa en las células HeLa se indica mediante la columna "células". Las cadenas con sentido y antisentido de las construcciones de ANic químicamente modificadas se muestran por el número RPI (cadena con sentido/cadena antisentido). Las secuencias correspondientes a estos números RPI se muestran en la Tabla I.

La Figura 15 muestra los resultados de una exploración de la actividad de iARN de construcciones de ANic químicamente modificadas. La exploración comparó diversas combinaciones de química de cadena con sentido en comparación con una química de cadena antisentido fija. Estos ANic químicamente modificados se compararon en el ensayo de luciferasa descrito en el presente documento a una concentración de 1 nM y 10 nM usando un control de ANic todo de ARN (siGL2) que tiene ditimidina (TT) 3'-terminal y su correspondiente control invertido (Inv siGL2). El nivel de fondo de la expresión de luciferasa en las células HeLa se indica mediante la columna "células". Las cadenas con sentido y antisentido de las construcciones de ANic químicamente modificadas se muestran por el número RPI (cadena con sentido/cadena antisentido). Las secuencias correspondientes a estos números RPI se muestran en la Tabla I.

La Figura 16 muestra los resultados de un estudio de titulación de ANic, en el que la actividad de iARN de una construcción de ANic modificada con fosforotioato se compara con la de una construcción de ANic que consiste en todo ribonucleótidos excepto por dos restos timidina terminales usando un sistema indicador de luciferasa.

La Figura 17 muestra una representación mecánica propuesta no limitante de la degradación del ARN diana implicado en la iARN. El ARN bicatenario (ARNbc), que se genera por la ARN polimerasa dependiente de ARN (RdRP) a partir de ARN monocatenario extraño, por ejemplo ARN viral, transponible u otro ARN exógeno, activa la enzima DICER que a su vez genera dúplex de ANic. De manera alternativa, el ANic sintético o expresado puede introducirse directamente en una célula por medios apropiados. Se forma un complejo de ANic activo que reconoce un ARN diana, dando como resultado la degradación del ARN diana por el complejo de endonucleasa RISC o en la síntesis de ARN adicional mediante la ARN polimerasa dependiente de ARN (RdRP), que puede activar DICER y dar como resultado moléculas de ANic adicionales, amplificando por lo tanto la respuesta de iARN.

La Figura 18A-F muestra ejemplos no limitantes de construcciones de ANic químicamente modificadas de la presente invención. En la Figura, N representa cualquier nucleótido (adenosina, guanosina, citosina, uridina u opcionalmente timidina, por ejemplo la timidina puede sustituirse en las regiones salientes indicadas entre paréntesis (N N)). Se muestran diversas modificaciones para las cadenas con sentido y antisentido de las

construcciones de ANic.

Figura 18A: La cadena con sentido comprende 21 nucleótidos que tienen cuatro enlaces internucleotídicos fosforotioato 5'- y 3'-terminales, en la que los dos nucleótidos 3'-terminales están opcionalmente formando pares de bases y en la que todos los nucleótidos de pirimidina que puedan estar presentes son nucleótidos modificados con 2'-O-metilo o 2'-desoxi-2'-fluoro excepto por los (N N) nucleótidos, que pueden comprender ribonucleótidos, desoxinucleótidos, bases universales u otras modificaciones químicas descritas en el presente documento. La cadena antisentido comprende 21 nucleótidos, que opcionalmente tienen un resto glicerilo 3'-terminal y en la que los dos nucleótidos 3'-terminales son opcionalmente complementarios a la secuencia de ARN diana, y que tienen un enlace internucleotídico de fosforotioato 3'-terminal y cuatro enlaces internucleotídicos de fosforotioato 5'-terminales, y en la que todos los nucleótidos de pirimidina que pueden estar presentes son nucleótidos modificados con 2'-desoxi-2'-fluoro excepto por los (N N) nucleótidos, que pueden comprender ribonucleótidos, desoxinucleótidos, bases universales u otras modificaciones químicas descritas en el presente documento.

Figura 18B: La cadena con sentido comprende 21 nucleótidos en los que los dos nucleótidos 3'-terminales están opcionalmente formando pares de bases y en la que todos los nucleótidos de pirimidina que pueden estar presentes son nucleótidos modificados con 2'-O-metilo o 2'-desoxi-2'-fluoro excepto por los (N N) nucleótidos, que pueden comprender ribonucleótidos, desoxinucleótidos, bases universales u otras modificaciones químicas descritas en el presente documento. La cadena antisentido comprende 21 nucleótidos, que opcionalmente tienen un resto glicerilo 3'-terminal y en la que los dos nucleótidos 3'-terminales son opcionalmente complementarios a la secuencia de ARN diana, y en la que todos los nucleótidos de pirimidina que pueden estar presentes son nucleótidos modificados con 2'-desoxi-2'-fluoro excepto por los (N N) nucleótidos, que pueden comprender ribonucleótidos, desoxinucleótidos, bases universales u otras modificaciones químicas descritas en el presente documento.

Figura 18C: La cadena con sentido comprende 21 nucleótidos que tienen restos protectores 5'- y 3'-terminales, en la que los dos nucleótidos 3'-terminales están opcionalmente formando pares de bases y en la que todos los nucleótidos de pirimidina que pueden estar presentes son nucleótidos modificados con 2'-O-metilo o 2'-desoxi-2'-fluoro excepto por los (N N) nucleótidos, que pueden comprender ribonucleótidos, desoxinucleótidos, bases universales u otras modificaciones químicas descritas en el presente documento. La cadena antisentido comprende 21 nucleótidos, que tiene opcionalmente un resto glicerilo 3'-terminal y, en la que los dos nucleótidos 3'-terminales son opcionalmente complementarios con la secuencia de ARN diana, y que tiene un enlace internucleotídico de fosforotioato 3'-terminal, y en la que todos los nucleótidos de pirimidina que pueden estar presentes son nucleótidos modificados con 2'-desoxi-2'-fluoro excepto por los (N N) nucleótidos, que pueden comprender ribonucleótidos, desoxinucleótidos, bases universales u otras modificaciones químicas descritas en el presente documento.

Figura 18D: La cadena con sentido comprende 21 nucleótidos que tienen restos protectores 5'- y 3'-terminales, en la que los dos nucleótidos 3'-terminales están opcionalmente formando pares de bases y en la que todos los nucleótidos de pirimidina que pueden estar presentes son nucleótidos modificados con 2'-desoxi-2'-fluoro excepto por los (N N) nucleótidos, que pueden comprender ribonucleótidos, desoxinucleótidos, bases universales u otras modificaciones químicas descritas en el presente documento, y en la que todos los nucleótidos de purina que pueden estar presentes son 2'-desoxi nucleótidos. La cadena antisentido comprende 21 nucleótidos, que opcionalmente tiene un resto glicerilo 3'-terminal, y en la que los dos nucleótidos 3'-terminales son opcionalmente complementarios a la secuencia de ARN diana, y que tienen un enlace internucleotídico de fosforotioato 3'-terminal, y en la que todos los nucleótidos de pirimidina que pueden estar presentes son nucleótidos modificados con 2'-desoxi-2'-fluoro y todos los nucleótidos de purina que pueden estar presentes son nucleótidos modificados con 2'-O-metilo excepto por los (N N) nucleótidos, que pueden comprender ribonucleótidos, desoxinucleótidos, bases universales u otras modificaciones químicas descritas en el presente documento.

Figura 18E: La cadena con sentido comprende 21 nucleótidos que tienen restos protectores 5'- y 3'-terminales en la que los dos nucleótidos 3'-terminales están opcionalmente formando pares de bases y en la que todos los nucleótidos de pirimidina que pueden estar presentes son nucleótidos modificados con 2'-desoxi-2'-fluoro excepto por los (N N) nucleótidos, que pueden comprender ribonucleótidos, desoxinucleótidos, bases universales u otras modificaciones químicas descritas en el presente documento. La cadena antisentido comprende 21 nucleótidos, que opcionalmente tienen un resto glicerilo 3'-terminal y en la que los dos nucleótidos 3'-terminales son opcionalmente complementarios a la secuencia de ARN diana, y en la que todos los nucleótidos de pirimidina que pueden estar presentes son nucleótidos modificados con 2'-desoxi-2'-fluoro y todos los nucleótidos de purina que pueden estar presentes son nucleótidos modificados con 2'-O-metilo, excepto por los (N N) nucleótidos, que pueden comprender ribonucleótidos, desoxinucleótidos, bases universales u otras modificaciones químicas descritas en el presente documento.

Figura 18F: La cadena con sentido comprende 21 nucleótidos que tienen restos protectores 5'- y 3'-terminales en la que los dos nucleótidos 3'-terminales están opcionalmente formando pares de bases y en la que todos los nucleótidos de pirimidina que pueden estar presente son nucleótidos modificados con 2'-desoxi-2'-fluoro excepto por los (N N) nucleótidos, que pueden comprender ribonucleótidos, desoxinucleótidos, bases universales u otras modificaciones químicas descritas en el presente documento. La cadena antisentido comprende 21 nucleótidos, que opcionalmente tienen un resto glicerilo 3'-terminal, y en la que los dos nucleótidos 3'-terminales son opcionalmente complementarios a la secuencia de ARN diana, y que tienen un enlace internucleotídico de fosforotioato 3'-terminal y en la que todos los nucleótidos de pirimidina que pueden estar presentes son nucleótidos modificados con 2'-desoxi-2'-fluoro y todos los nucleótidos de purina que pueden estar presentes son nucleótidos modificados con 2'-desoxi excepto por los (N N) nucleótidos, que pueden comprender ribonucleótidos, desoxinucleótidos, bases universales u otras modificaciones químicas descritas en el presente documento. La cadena antisentido de las construcciones A-F comprende complementariedad de secuencia con la secuencia de ARN diana de la presente invención.

La Figura 19 muestra ejemplos no limitantes de secuencias de ANic específicas químicamente modificadas de la presente invención. **A-F** aplica las modificaciones químicas descritas en las **Figuras 18A-F** a una secuencia de ANic representativa que se dirige a EGFR (HER1).

La Figura 20 muestra ejemplos no limitantes de diferentes construcciones de ANic de la presente invención. Los ejemplos mostrados (construcciones 1, 2 y 3) tienen 19 pares de bases representativas, sin embargo, las diferentes realizaciones de la invención incluyen cualquier número de pares de bases descrito en el presente documento. Las regiones entre paréntesis representan salientes de nucleótidos, que comprenden por ejemplo entre aproximadamente 1, 2, 3 ó 4 nucleótidos de longitud, preferentemente aproximadamente 2 nucleótidos. Las construcciones 1 y 2 pueden usarse independiente para la actividad de iARN. La construcción 2 puede comprender un engarce polinucleotídico o no nucleotídico, que opcionalmente puede diseñarse como un engarce biodegradable. En una realización, la estructura en bucle mostrada en la construcción 2 puede comprender un engarce biodegradable que da como resultado la formación de la construcción 1 *in vivo* y/o *in vitro*. En otro ejemplo, la construcción 3 puede usarse para generar la construcción 2 de acuerdo con el mismo principio en el que se usa un engarce para generar la construcción 2 de ANic activo *in vivo* y/o *in vitro*, que opcionalmente puede utilizar otro engarce biodegradable para generar la construcción 1 de ANic activo *in vivo* y/o *in vitro*. Como tal, la estabilidad y/o actividad de las construcciones de ANic puede modularse en base al diseño de la construcción de ANic para su uso *in vivo* o *in vitro* y/o *in vitro*.

La Figura 21 es una representación esquemática de un procedimiento usado para determinar sitios diana para la iARN mediada por ANic dentro de una secuencia de ácido nucleico diana particular, tal como ARN mensajero. (A) Se sintetizan un conjunto de oligonucleótidos de ANic en los que la región antisentido de las construcciones de ANic tiene complementariedad con sitios diana en la secuencia de ácido nucleico diana, y en los que la región con sentido comprende una secuencia complementaria a la región antisentido del ANic. (B) Las secuencias se usan para transfectar células. (C) Las células se seleccionan en base a cambios fenotípicos que están asociados con la modulación de la secuencia de ácido nucleico diana. (D) El ANic se aísla a partir de las células seleccionadas y se secuencia para identificar sitios diana eficaces dentro de la secuencia de ácido nucleico diana.

Figura 22 muestra ejemplos no limitantes de diferentes químicas de estabilización (1-10) que pueden usarse, por ejemplo, para estabilizar el extremo 3' de secuencias de ANic de la presente invención, incluyendo (1) desoxirribosa [3'-3']-invertida; (2) desoxirribonucleótido; (3) [5'-3']-3'-desoxirribonucleótido; (4) [5'-3']-ribonucleótido; (5) [5'-3']-3'-O-metil ribonucleótido; (6) 3'-glicerilo; (7) [3'-5']-3'-desoxirribonucleótido; (8) [3'-3']-desoxirribonucleótido; (9) [5'-2']-desoxirribonucleótido; y (10) [5-3]-desoxirribonucleótido. Además de las químicas de cadena principal modificadas y no modificadas indicadas en la Figura, estas químicas pueden combinarse con diferentes modificaciones de cadena principal como se describe en el presente documento. Además, el 2'-desoxi nucleótido que se muestra 5' a las modificaciones terminales puede ser otro nucleótido modificado o no modificado descrito en el presente documento.

La Figura 23 muestra un ejemplo no limitante de la inhibición mediada por ANic de la angiogénesis inducida por VEGF usando el modelo de angiogénesis corneal de rata. El sitio de dirección de ANic 2340 del ARN de VEGFR1 (mostrado como N° RPI de cadena con sentido/cadena antisentido) se comparó con controles invertidos (mostrados como N° RPI de cadena con sentido/cadena antisentido) a tres concentraciones diferentes y se comparó con un control de VEGF en el que no se administró ANic.

La Figura 24 muestra un ejemplo no limitante de una estrategia usada para identificar construcciones de ANic químicamente modificadas de la presente invención que sean resistentes a nucleasa, conservando al mismo tiempo la capacidad para mediar la actividad de iARN. Se introducen modificaciones químicas en la construcción de ANic en base a parámetros de diseño fundamentados (por ejemplo, introducción de

modificaciones 2', modificaciones de bases, modificaciones de cadena principal, modificaciones de protección terminal, etc.). La construcción modificada se ensaya en un sistema apropiado (por ejemplo, suero humano para resistencia a nucleasa, mostrado, o un modelo animal para parámetros de PK/suministro). En paralelo, la construcción de ANic se ensaya para determinar la actividad de iARN, por ejemplo en un sistema de cultivo celular tal como un ensayo de indicador de luciferasa). Después se identifican las construcciones de ANic candidatas que poseen una característica particular manteniendo al mismo tiempo la actividad de iARN, y pueden modificarse adicionalmente y ensayarse una vez más. Puede usarse este mismo enfoque para identificar moléculas conjugadas con ANic con perfiles farmacocinéticos, suministro y actividad de iARN mejorados.

La Figura 25 muestra un ejemplo no limitante de la reducción del ARNm de HER2 en células A549 mediada por ANic modificados químicamente y basados en ARN que se dirigen a los sitios 2344 y 3706 del ARNm de HER2. Se transfectaron células A549 con 4 ug/ml de lípidos en complejo con ANic no modificados 25 nM con una protección de ditimidina 3'-terminal (RPI nº 28266/28267) o un control invertido correspondiente (RPI nº 28268/28269) para el sitio 2344 y (RPI nº 28262/28263) y un control invertido correspondiente (RPI 28264/28265) para el sitio 3706. Además, se transfectaron células A549 con 4 ug/ml de lípido en complejo con ANic modificado a 25 nM (RPI nº 30442/30443) y un control emparejado correspondiente (RPI nº 30444/30445) para el sitio 2344 y (RPI nº 30438/30439) y un control emparejado correspondiente (RPI 30440/30441) para el sitio 3706. Como se muestra en las Figuras, todas las construcciones modificadas y no modificadas dirigidas a los sitios 2344 y 3706 demuestran una inhibición significativa de la expresión del ARN de HER2.

La Figura 26 muestra un ejemplo no limitante de la reducción del ARNm de PKC-alfa en células A549 mediada por ANic químicamente modificados que se dirigen al ARNm de PKC-alfa. Se transfectaron células A549 con 0,25 ug/pocillo de lípido en complejo con ANic 25 nM. Se comparó una exploración de construcciones de ANic que comprendían ribonucleótidos y protecciones de ditimidina 3'-terminales con células no tratadas, construcciones de control de ANic desorganizado (Desorg. 1 y Desorg. 2) y células transfectadas sólo con lípido (control de transfección). Como se muestra en la Figura, todas las construcciones de ANic mostraron una reducción significativa de la expresión de ARN de PKC-alfa.

La Figura 27 muestra un ejemplo no limitante de la reducción del ARNm de Myc (c-Myc) en células 293T mediada por los ANic químicamente modificados que se dirigen al ARNm de c-Myc. Se transfectaron células 293T con 0,25 ug/pocillo de lípido en complejo con ANic 25 nM. Se comparó una exploración de construcciones de ANic que comprendían ribonucleótidos y protecciones de ditimidina 3'-terminales con células no tratadas, construcciones de control de ANic desorganizado (Desorg. 1 y Desorg. 2) y células transfectadas sólo con lípido (control de transfección). Como se muestra en la Figura, tres de las construcciones de ANic (RPI 30993/31069; RPI 30995/31071 y RPI 30996/31072) mostraron una reducción significativa de la expresión del ARN de c-Myc.

La Figura 28 muestra un ejemplo no limitante de reducción del ARNm de BCL2 en células A549 mediada por ANic químicamente modificados que se dirigen al ARNm de BCL2. Se transfectaron células A549 con 0,25 ug/pocillo de lípido en complejo con ANic 25 nM. Se ensayó una construcción de ANic que comprendía ribonucleótidos y protecciones de ditimidina 3'-terminales (RPI nº 30998/3031074) junto con una construcción de ANic químicamente modificado que comprendía nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina y ribonucleótidos de purina, y en la que la cadena con sentido del ANic se modifica adicionalmente con protecciones abásicas desoxi invertidas 5'- y 3'-terminales y la cadena antisentido comprende un enlace internucleotídico de fosforotioato 3'-terminal (RPI nº 31368/31369) que también se comparó con un control invertido de la misma química (RPI nº 31370/31371) y una construcción de ANic químicamente modificada que comprende nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina y 2'-desoxi-2'-fluoro purina, en la que la cadena con sentido del ANic se modifica adicionalmente con protecciones abásicas desoxi invertidas 5'- y 3'-terminales y la cadena antisentido comprende un enlace internucleotídico de fosforotioato 3'-terminal (RPI nº 31372/31373) que también se comparó con un control invertido de la misma química (RPI nº 31374/31375). Además, las construcciones de ANic también se compararon con células no tratadas, células transfectadas con lípido y construcciones de ANic desorganizado (Desorg. 1 y Desorg. 2) y células transfectadas sólo con lípido (control de transfección). Como se muestra en la Figura, las construcciones de ANic muestran reducción significativa de la expresión del ARN de BCL2 en comparación con controles desorganizados, no tratados y de transfección.

La Figura 29 muestra un ejemplo no limitante de la reducción del ARNm de CHK-1 en células A549 mediada por ANic químicamente modificados que se dirigen al ARNm de CHK-1. Se transfectaron células A549 con 0,25 ug/pocillo de lípido en complejo con ANic 25 nM. Se comparó una construcción de ANic que comprendía ribonucleótidos y protecciones de ditimidina 3'-terminales (RPI nº 31003/31079) y una construcción de ANic químicamente modificada que comprendía nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina y ribonucleótidos de purina, en la que la cadena con sentido del ANic se modificó adicionalmente con protecciones abásicas desoxi invertidas 5'- y 3'-terminales y en el que la cadena antisentido comprendía un enlace internucleotídico de

fosforotioato 3'-terminal (RPI nº 31302/31303), con un control invertido de la misma química (RPI nº 31314/31325). Además, las construcciones de ANic también se compararon con células no tratadas, células transfectadas con lípido y construcciones de ANic desorganizado (Desorg. 1 y Desorg. 2) y células transfectadas sólo con lípido (control de transfección). Como se muestra en la Figura, ambas construcciones de ANic mostraron una reducción significativa de la expresión del ARN de CHK-1 en comparación con controles apropiados.

La Figura 30 muestra un ejemplo no limitante de la reducción del ARNm de BACE en células A549 mediada por ANic que se dirigen al ARNm de BACE. Se transfectaron células A549 con 0,25 ug/pocillo de lípido en complejo con ANic 25 nM. Se comparó una exploración de construcciones de ANic que comprendían ribonucleótidos y protecciones de ditimidina 3'-terminales con células no tratadas, construcciones de control de ANic desorganizado (Desorg. 1 y Desorg. 2) y células transfectadas sólo con lípido (control de transfección). Como se muestra en la Figura, todas las construcciones de ANic muestran una reducción significativa de la expresión del ARN de BACE.

La Figura 31 muestra un ejemplo no limitante de reducción del ARNm de ciclina D1 en células A549 mediada por ANic químicamente modificados que se dirigen al ARNm de la ciclina D1. Se transfectaron células A549 con 0,25 ug/pocillo de lípido en complejo con ANic 25 nM. Se comparó una construcción de ANic que comprendía ribonucleótidos y protecciones de ditimidina 3'-terminales (RPI nº 31009/31085) con una construcción de ANic químicamente modificada que comprendía nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina y ribonucleótidos de purina en los que la cadena con sentido del ANic se modificó adicionalmente con protecciones abásicas desoxi invertidas 5'- y 3'-terminales y la cadena antisentido comprendía un enlace internucleotídico de fosforotioato 3'-terminal (RPI nº 31304/31305) que también se comparó con un control invertido de la misma química (RPI nº 31316/31317). Además, las construcciones de ANic también se compararon con células no tratadas, células transfectadas con lípido y construcciones de ANic desorganizado (Desorg. 1 y Desorg. 2) y células transfectadas sólo con lípido (control de transfección). Como se muestra en la Figura, ambas construcciones de ANic muestran una reducción significativa de la expresión del ARN de ciclina D1.

La Figura 32 muestra un ejemplo no limitante de la reducción del ARNm de PTP-1B en células A549 mediada por ANic químicamente modificados que se dirigen al ARNm de PTP-1B. Se transfectaron células A549 con 0,25 ug/pocillo de lípido en complejo con ANic 25 nM. Se comparó una construcción de ANic que comprendía ribonucleótidos y protecciones de ditimidina 3'-terminales (RPI nº 31018/31307) con una construcción de ANic químicamente modificada que comprendía nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina y ribonucleótidos de purina en los que la cadena con sentido del ANic se modificó adicionalmente con protecciones abásicas desoxi invertidas 5'- y 3'-terminales y la cadena antisentido comprendía un enlace internucleotídico de fosforotioato 3'-terminal (RPI nº 31306/31307), que también se comparó con un control invertido de la misma química (RPI nº 31318/31319). Además, las construcciones de ANic también se compararon con células no tratadas, células transfectadas con lípido y construcciones de ANic desorganizado (Desorg. 1 y Desorg. 2) y células transfectadas sólo con lípido (control de transfección). Como se muestra en la Figura, ambas construcciones de ANic muestran una reducción significativa de la expresión del ARN de PTP-1B.

La Figura 33 muestra un ejemplo no limitante de la reducción del ARNm de ERG2 en células DLD1 mediada por ANic que se dirigen al ARNm de ERG2. Se transfectaron células DLD1 con 0,25 ug/pocillo de lípido en complejo con ANic 25 nM. Se comparó una exploración de construcciones de ANic que comprendían ribonucleótidos y protecciones de ditimidina 3'-terminales con células no tratadas, construcciones de control de ANic desorganizado (Desorg. 1 y Desorg. 2) y células transfectadas sólo con lípido (control de transfección). Como se muestra en la Figura, todas las construcciones de ANic muestran una reducción significativa de la expresión del ARN de ERG2.

La Figura 34 muestra un ejemplo no limitante de la reducción del ARNm de PCNA en células A549 mediada por ANic químicamente modificados que se dirigen al ARNm de PCNA. Se transfectaron células A549 con 0,25 ug/pocillo de lípido en complejo con ANic 25 nM. Se comparó una construcción de ANic que comprendía ribonucleótidos y protecciones de ditimidina 3'-terminales (RPI nº 31035/31111) con una construcción de ANic químicamente modificada que comprendía nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina y ribonucleótidos de purina en los que la cadena con sentido del ANic se modificó adicionalmente con protecciones abásicas desoxi invertidas 5'- y 3'-terminales y la cadena antisentido comprendía un enlace internucleotídico de fosforotioato 3'-terminal (RPI nº 31310/31311), que también se comparó con un control invertido de la misma química (RPI nº 31322/31323). Además, también se compararon las construcciones de ANic con células no tratadas, células transfectadas con lípido y construcciones de ANic desorganizado (Desorg. 1 y Desorg. 2) y células transfectadas sólo con lípido (control de transfección). Como se muestra en la Figura, ambas construcciones de ANic mostraron una reducción significativa de la expresión del ARN de PCNA.

Descripción detallada de la presente invención**Mecanismo de Acción de las Moléculas de Ácido Nucleico de la Invención**

La siguiente discusión analiza el mecanismo propuesto de interferencia de ARN mediada por ARN de interferencia corto como se conoce actualmente, y no tiene por objeto ser limitante ni es una admisión de técnica anterior. El solicitante demuestra en el presente documento que los ácidos nucleicos de interferencia cortos modificados químicamente poseen una capacidad similar o mejorada para mediar la iARN que las moléculas de ARNic, y se espera que posean una estabilidad y actividad mejoradas *in vivo*; por lo tanto, esta discusión no tiene por objeto limitarse únicamente al ARNic y se puede aplicar a los ANic en su totalidad. "Capacidad mejorada para mediar la iARN" o "actividad de iARN mejorada" tienen por objeto incluir la actividad de iARN medida *in vitro* y/o *in vivo*, donde la actividad de iARN es un reflejo tanto de la capacidad del ANic para mediar la iARN como de la estabilidad de los ANic de la invención. En la presente invención, el producto de estas actividades puede estar aumentado *in vitro* y/o *in vivo* en comparación con un ARNic todo de ARN o un ANic que contiene una pluralidad de ribonucleótidos. En algunos casos, la actividad o estabilidad de la molécula de ANic puede estar disminuida (es decir, menos de diez veces), pero la actividad global de la molécula de ANic está aumentada *in vitro* y/o *in vivo*.

La interferencia de ARN se refiere al procedimiento de silenciamiento génico postranscripcional específico de secuencia en animales mediado por ARN de interferencia cortos (ARNic) (Fire y col., 1998, *Nature*, 391, 806). El procedimiento correspondiente en plantas se denomina comúnmente silenciamiento génico postranscripcional o silenciamiento de ARN y también se hace referencia al mismo como supresión en hongos. El procedimiento de silenciamiento génico postranscripcional se cree que es un mecanismo de defensa celular conservado de manera evolutiva usado para evitar la expresión de genes extraños que comparten comúnmente flora y filos diversos (Fire y col., 1999, *Trends Genet.*, 15, 358). Dicha protección frente a la expresión de genes extraños puede haber evolucionado como respuesta a la producción de ARN bicatenarios (ARNbc) derivados de una infección viral o de la integración aleatoria de elementos transponibles en un genoma huésped mediante una respuesta celular que destruye específicamente ARN monocatenario homólogo o ARN genómico viral. La presencia de ARNbc en células desencadena la respuesta de iARN a través de un mecanismo que aún tiene que caracterizarse completamente. Este mecanismo parece ser diferente de la respuesta de interferón que se produce como resultado de la activación mediada por ARNbc de la proteína quinasa PKR y 2',5'-oligoadenilato sintetasa, dando como resultado una escisión inespecífica del ARNm por la ribonucleasa L.

La presencia de ARNbc largos en células estimula la actividad de una enzima ribonucleasa III denominada Dicer. La Dicer está implicada en el procesamiento de los ARNbc en trozos cortos de ARNbc conocidos como ARN de interferencia cortos (ARNic) (Berstein y col., 2001, *Nature*, 409, 363). Los ARN de interferencia cortos derivados de la actividad de Dicer típicamente tienen de aproximadamente 21 a aproximadamente 23 nucleótidos de longitud y comprenden dúplex de aproximadamente 19 pares de bases. También se ha implicado a Dicer en la escisión de ARN temporales pequeños (ARNtp) de 21 y 22 nucleótidos a partir de ARN precursor de estructura conservada que están implicados en el control traduccional (Hutvagner y col., 2001, *Science*, 293, 834). La respuesta de iARN también presenta un complejo de endonucleasa, denominado comúnmente complejo de silenciamiento inducido por ARN (RISC), que media la escisión de ARN monocatenario que tiene una secuencia homóloga a la del ARNic. La escisión del ARN diana tiene lugar en el centro de la región complementaria a la secuencia de guía del dúplex de ARNic (Elbashir y col., 2001, *Genes Dev.*, 15, 188). Además, la interferencia de ARN también puede implicar silenciamiento génico mediado por ARN pequeño (por ejemplo, micro-ARN o miARN), presumiblemente a través de mecanismos celulares que regulan la estructura de cromatina y de ese modo evitan la transcripción de secuencias génicas diana (véase, por ejemplo, Allshire, 2002, *Science*, 297, 1818-1819; Volpe y col., 2002, *Science*, 297, 1833-1837; Jenuwein, 2002, *Science*, 297, 2215-2218; y Hall y col., 2002, *Science*, 297, 2232-2237). Como tal, las moléculas de ANic de la presente invención se pueden usar para mediar el silenciamiento génico a través de la interacción con transcritos de ARN o, como alternativa, mediante la interacción con secuencias génicas particulares, en las que tal interacción da como resultado el silenciamiento génico a nivel transcripcional o a nivel postranscripcional.

La iARN se ha estudiado en una diversidad de sistemas. Fire y col., 1998, *Nature*, 391, 806, fueron los primeros en observar la iARN en *C. elegans*. Wianny y Goetz, 1999, *Nature Cell Biol.*, 2, 70, describen la iARN mediada por ARNbc en embriones de ratón. Hammond y col., 2000, *Nature*, 404, 293, describen la iARN en células de *Drosophila* transfectadas con ARNbc. Elbashir y col., 2001, *Nature*, 411, 494, describen la iARN inducida introduciendo dúplex de ARN sintéticos de 21 nucleótidos en células de mamífero cultivadas incluyendo células embrionarias de riñón humano y células HeLa. Trabajos recientes en lisados embrionarios de *Drosophila* han revelado determinados requisitos de longitud, estructura, composición química y secuencia de ARNic que son esenciales para mediar una actividad de iARN eficaz. Estos estudios han demostrado que los dúplex de ARNic de 21 nucleótidos son más activos cuando contienen dos salientes dinucleotídicos 3'-terminales. Además, la sustitución completa de una o ambas cadenas de ARNic con nucleótidos 2'-desoxi o 2'-O-metilo suprime la actividad de iARN, mientras que se demostró que se toleraba la sustitución de los nucleótidos de ARNic 3'-

terminales con nucleótidos desoxi. También se demostró que secuencias con un emparejamiento erróneo en el centro del dúplex de ARNic suprimían la actividad de iARN. Además, estos estudios también indican que la posición del sitio de escisión en el ARN diana está definida por el extremo 5' de la secuencia guía de ARNic en lugar del extremo 3' de la secuencia guía (Elbashir y col., 2001, EMBO J., 20, 6877). Otros estudios han indicado que es necesario un fosfato 5' en la cadena complementaria diana de un dúplex de ARNic para la actividad del ARNic y que, para mantener el resto fosfato 5' en el ARNic, se utiliza ATP (Nykanen y col., 2001, Cell, 107, 309.); sin embargo, las moléculas de ARNic que carecen de un fosfato 5' son activas cuando se introducen de forma exógena, sugiriendo que la fosforilación 5' de construcciones de ARNic puede ocurrir *in vivo*.

Síntesis de Moléculas de Ácido Nucleico

La síntesis de ácidos nucleicos de una longitud superior a 100 nucleótidos es difícil usando procedimientos automáticos y el coste terapéutico de dichas moléculas es prohibitivo. En la presente invención, en motivos de ácidos nucleicos pequeños, "pequeños" se refiere a motivos de ácido nucleico no superiores a 100 nucleótidos de longitud, preferentemente no superiores a 80 nucleótidos de longitud y, más preferentemente, no superiores a 50 nucleótidos de longitud; por ejemplo, se usan preferentemente para suministro exógeno secuencias oligonucleotídicas de ANic individuales o secuencias de ANic sintetizados en tándem. La estructura simple de estas moléculas aumenta la capacidad del ácido nucleico para invadir regiones diana de estructura de ARN y/o proteína. Las moléculas ejemplares de la presente invención se sintetizan químicamente y otras pueden sintetizarse de manera similar.

Los oligonucleótidos (por ejemplo, determinados oligonucleótidos modificados o partes de oligonucleótidos que carecen de ribonucleótidos) se sintetizan usando protocolos conocidos en la técnica, por ejemplo como describen Caruthers y col., 1992, en *Methods in Enzymology* 211, 3-19, Thompson y col., en la *Publicación Internacional PCT* N° WO 99/54459, Wincott y col., 1995, *Nucleic Acids Res.* 23, 2677-2684, Wincott y col., 1997, *Methods Mol. Bio.*, 74, 59, Brennan y col., 1998, *Biotechnol Bioeng.*, 61, 33-45, y Brennan, *Patente de Estados Unidos* N° 6.001.311. Todas estas referencias se incorporan en el presente documento por referencia. Las síntesis de oligonucleótidos hace uso de grupos de protección y acoplamiento de ácidos nucleicos comunes, tales como dimetoxitritilo en el extremo 5' y fosforamiditas en el extremo 3'. En un ejemplo no limitante, se realizan síntesis a pequeña escala en un sintetizador 394 Applied Biosystems, Inc. usando un protocolo a escala 0,2 µmol con una etapa de acoplamiento de 2,5 min para nucleótidos 2'-O-metilados y una etapa de acoplamiento de 45 segundos para 2'-desoxi nucleótidos o 2'-desoxi-2'-fluoro nucleótidos. La **Tabla II** resume las cantidades y los tiempos de contacto de los reactivos usados en el ciclo de síntesis. De manera alternativa, pueden realizarse síntesis a escala 0,2 µmol en un sintetizador de placa de 96 pocillos, tal como el instrumento producido por Protogene (Palo Alto, CA) con una modificación mínima para el ciclo. Puede usarse un exceso de 33 veces (60 µl de 0,11 M = 6,6 µmol) de 2'-O-metil fosforamidita y un exceso de 105 veces de S-etil tetrazol (60 µl de 0,25 M = 15 µmol) en cada ciclo de acoplamiento de restos 2'-O-metilo con respecto al 5'-hidroxilo unido a polímero. Puede usarse un exceso de 22 veces (40 µl de 0,11 M = 4,4 µmol) de desoxi fosforamidita y un exceso de 70 veces de S-etil tetrazol (40 µl de 0,25 M = 10 µmol) en cada ciclo de acoplamiento de restos desoxi con respecto al 5' hidroxilo unido a polímero. Los rendimientos de acoplamiento promedio en el sintetizador 394 Applied Biosystems, Inc., determinados por cuantificación colorimétrica de las fracciones de tritilo, son típicamente del 97,5-99%. Otros reactivos de síntesis de oligonucleótidos para el sintetizador 394 Applied Biosystems, Inc. incluyen lo que se indica a continuación: la solución de destilación es TCA al 3% en cloruro de metileno (ABI); la protección terminal se realiza con *N*-metil imidazol al 16% en THF (ABI) y anhídrido acético al 10%/2,6-lutidina al 10% en THF (ABI); y la solución de oxidación es I₂ 16,9 mM, piridina 49 mM, agua al 9% en THF (PERSEPTIVE™). Se usa acetonitrilo de Calidad de Síntesis de Burdick & Jackson directamente del frasco de reactivo. La solución de S-Etiltetrazol (0,25 M en acetonitrilo) se prepara a partir del sólido obtenido de American International Chemical, Inc. De manera alternativa, para la introducción de enlaces fosforotioato, se usa reactivo de Beaucage (1,1-dióxido de 3H-1,2-Benzoditio-3-ona, 0,05 M en acetonitrilo).

La desprotección de los oligonucleótidos basados en ADN se realiza de la siguiente manera: el oligorribonucleótido sobre tritilo unido a polímero se transfiere a un vial de vidrio con tapa de rosca de 4 ml y se suspende en una solución de metilamina acuosa al 40% (1 ml) a 65°C durante 10 minutos. Después de enfriar a -20°C, el sobrenadante se retira del soporte polimérico. El soporte se lava tres veces con 1,0 ml de EtOH:MeCN:H₂O/3:1:1, se somete a agitación vorticial y después el sobrenadante se añade al primer sobrenadante. Los sobrenadantes combinados, que contienen el oligorribonucleótido, se secan para proporcionar un polvo blanco.

El procedimiento de síntesis usado para el ARN, incluyendo determinadas moléculas de ANic de la invención, sigue el procedimiento que se describe en Usman y col., 1987, *J. Am. Chem. Soc.*, 109, 7845; Scaringe y col., 1990, *Nucleic Acids Res.*, 18, 5433; y Wincott y col., 1995, *Nucleic Acids Res.* 23, 2677-2684 Wincott y col., 1997, *Methods Mol. Bio.*, 74, 59, y hace uso de grupos de protección y acoplamiento de ácidos nucleicos comunes tales como dimetoxitritilo en el extremo 5' y fosforamiditas en el extremo 3'. En un ejemplo no limitante, se realizan síntesis a pequeña escala en un sintetizador 394 Applied Biosystems, Inc. usando un protocolo a escala 0,2 µmol

con una etapa de acoplamiento de 7,5 min para nucleótidos protegidos con alquilsililo y una etapa de acoplamiento de 2,5 minutos para nucleótidos 2'-O-metilados. La **Tabla II** resume las cantidades y los tiempos de contacto de los reactivos usados en el ciclo de síntesis. Como alternativa, la síntesis a escala 0,2 μmol puede realizarse en un sintetizador de placa de 96 pocillos, tal como el instrumento producido por Protogene (Palo Alto, CA) con una modificación mínima del ciclo. Puede usarse un exceso de 33 veces (60 μl de 0,11 M = 6,6 μmol) de 2'-O-metil fosforamidita y un exceso de 75 veces de S-etil tetrazol (60 μl de 0,25 M = 15 μmol) en cada ciclo de acoplamiento de restos 2'-O-metilo con respecto al 5'-hidroxilo unido a polímero. Puede usarse un exceso de 66 veces (120 μl de 0,11 M = 13,2 μmol) de fosforamidita (ribo) protegida con alquilsililo y un exceso de 150 veces de S-etil tetrazol (120 μl de 0,25 M = 30 μmol) en cada ciclo de acoplamiento de ribo-restos con respecto al 5'-hidroxilo unido a polímero. Los rendimientos de acoplamiento promedio en el sintetizador 394 Applied Biosystems, Inc., determinados por cuantificación colorimétrica de las fracciones de tritilo, son típicamente del 97,5-99%. Otros reactivos de síntesis de oligonucleótidos para el sintetizador 394 Applied Biosystems, Inc. incluyen lo que se indica a continuación: la solución de destritilación es TCA al 3% en cloruro de metileno (ABI); la protección terminal se realiza con *N*-metil imidazol al 16% en THF (ABI) y anhídrido acético al 10%/2,6-lutidina al 10% en THF (ABI); y la solución de oxidación es I_2 16,9 mM, piridina 49 mM, agua al 9% en THE (PERSEPTIVE™). Se usa acetonitrilo de Calidad de Síntesis de Burdick & Jackson directamente del frasco de reactivo. La solución de S-Etiltetrazol (0,25 M en acetonitrilo) se prepara a partir del sólido obtenido de American International Chemical, Inc. De manera alternativa, para la introducción de enlaces fosforotioato, se usa reactivo de Beaucage (1,1-dióxido de 3H-1,2-Benzoditiol-3-ona, 0,05 M en acetonitrilo).

La desprotección del ARN se realiza usando un protocolo de dos recipientes o de un recipiente. Para el protocolo de dos recipientes, el oligorribonucleótido sobre tritilo unido a polímero se transfiere a un vial de vidrio con tapa de rosca de 4 ml y se suspende en una solución de metilamina acuosa al 40% (1 ml) a 65°C durante 10 minutos. Después de enfriar a -20°C, el sobrenadante se retira del soporte polimérico. El soporte se lava tres veces con 1,0 ml de EtOH:MeCN:H₂O/3:1:1, se somete a agitación vorticial y después el sobrenadante se añade al primer sobrenadante. Los sobrenadantes combinados, que contienen el oligorribonucleótido, se secan para proporcionar un polvo blanco. El oligorribonucleótido de base desprotegida se resuspende en solución de TEA/HF/NMP anhidra (300 μl de una solución de 1,5 ml de *N*-metilpirrolidinona, 750 μl de TEA y 1 ml de TEA•3HF para proporcionar una concentración de HF 1,4 M) y se calienta a 65°C. Después de 1,5 h, el oligómero se inactiva con NH_4HCO_3 1,5 M.

De manera alternativa, para el protocolo de un recipiente, el oligorribonucleótido sobre tritilo unido a polímero se transfiere a un vial de vidrio con tapa de rosca de 4 ml y se suspende en una solución de metilamina etanólica al 33%/DMSO: 1/1 (0,8 ml) a 65°C durante 15 min. El vial se lleva a temperatura ambiente (ta). Se añade TEA•3HF (0,1 ml) y el vial se calienta a 65°C durante 15 minutos. La muestra se enfría a -20°C y después se inactiva con NH_4HCO_3 1,5 M.

Para la purificación de los oligómeros sobre tritilo, la solución de NH_4HCO_3 inactivada se carga sobre un cartucho que contiene C-18 que se ha lavado previamente con acetonitrilo, seguido de TEAA 50 mM. Después de lavar con agua el cartucho cargado, el ARN se destritila con TFA al 0,5% durante 13 minutos. Después, se lava de nuevo el cartucho con agua, se realiza el intercambio salino con NaCl 1 M y se lava de nuevo con agua. Después, el oligonucleótido se eluye con acetonitrilo al 30%.

Los rendimientos promedio de acoplamiento por etapas son típicamente >98% (Wincott y col., 1995 *Nucleic Acids Res.* 23, 2677-2684). Los expertos en la materia reconocerán que la escala de síntesis puede adaptarse para ser mayor o menor que el ejemplo descrito anteriormente incluyendo, pero sin limitación, un formato de 96 pocillos.

Como alternativa, las moléculas de ácido nucleico de la presente invención pueden sintetizarse por separado y unirse entre sí después de la síntesis, por ejemplo, por ligación (Moore y col., 1992, *Science* 256, 9923; Draper y col., *Publicación Internacional PCT* N° WO 93/23569; Shabarova y col., 1991, *Nucleic Acids Research* 19, 4247; Bellon y col., 1997, *Nucleosides & Nucleotides*, 16, 951; Bellon y col., 1997, *Bioconjugate Chem.* 8, 204), o por hibridación después de la síntesis y/o desprotección.

Las moléculas de ANic de la invención también pueden sintetizarse mediante una metodología de síntesis en tándem como se describe en el Ejemplo 1 en el presente documento, en la que las dos cadenas de ANic se sintetizan como una cadena o fragmento oligonucleotídico contiguo sencillo separado mediante un engarce escindible que se escinde posteriormente para proporcionar fragmentos o cadenas de ANic distintos que hibridan y permiten la purificación del dúplex de ANic. El engarce puede ser un engarce polinucleotídico o un engarce no nucleotídico. Como se describe en el presente documento, la síntesis en tándem del ANic, puede adaptarse fácilmente a plataformas de síntesis multipocillo/multiplaca, tales como plataformas de 96 pocillos o multipocillo de mayor tamaño, de manera similar. La síntesis en tándem de ANic, que se describe en el presente documento, también puede adaptarse fácilmente a plataformas de síntesis a gran escala, empleando reactores discontinuos, columnas de síntesis y similares.

También puede ensamblarse una molécula de ANic a partir de dos cadenas o fragmentos de ácido nucleico distintos, en los que un fragmento incluye la región con sentido y el segundo fragmento incluye la región antisentido de la molécula de ARN.

Las moléculas de ácido nucleico de la presente invención pueden modificarse ampliamente para aumentar la estabilidad por modificación con grupos resistentes a nucleasa, por ejemplo, 2'-amino, 2'-C-alilo, 2'-fluoro, 2'-O-metilo, 2'-H (para una revisión véase Usman y Cedergren, 1992, TIBS 17, 34; Usman y col., 1994, Nucleic Acids Symp. Ser. 31, 163). Las construcciones de ANic pueden purificarse por electroforesis en gel usando procedimientos generales o pueden purificarse por cromatografía líquida de alto rendimiento (HPLC; véase Wincott y col., anteriormente, cuya totalidad se incorpora en el presente documento por referencia) y resuspenderse en agua.

En otro aspecto de la invención, las moléculas de ANic de la invención se expresan a partir de unidades de transcripción insertadas en vectores de ADN o ARN. Los vectores recombinantes pueden ser plásmidos de ADN o vectores virales. Los vectores virales que expresan ANic pueden construirse basándose, pero sin limitación, en virus adenoasociados, retrovirus, adenovirus o alfavirus. Los vectores recombinantes capaces de expresar las moléculas de ANic pueden suministrarse como se describe en el presente documento y persistir en células diana. De manera alternativa, pueden usarse vectores virales que proporcionan una expresión transitoria de moléculas de ANic.

Optimización de la actividad de la molécula de ácido nucleico de la invención

La síntesis química de moléculas de ácido nucleico con modificaciones (base, azúcar y/o fosfato) puede impedir su degradación por ribonucleasas séricas, que puede aumentar su potencia (véase por ejemplo Eckstein y col., Publicación Internacional N° WO 92/07065; Perrault y col., 1990 Nature 344, 565; Pieken y col., 1991, Science 253, 314; Usman y Cedergren, 1992, Trends in Biochem. Sci. 17, 334; Usman y col., Publicación Internacional N° WO 93/15187; y Rossi y col., Publicación Internacional N° WO 91/03162; Sproat, Patente de Estados Unidos N° 5.334.711; Gold y col., Patente de Estados Unidos N° 6.300.074; y Burgin y col., anteriormente; incorporándose todas en el presente documento por referencia). Todas las referencias anteriores describen diversas modificaciones químicas que pueden realizarse en los restos de base, fosfato y/o azúcar de las moléculas de ácido nucleico descritas en el presente documento. Se desean modificaciones que aumenten su eficacia en células y la eliminación de bases de las moléculas de ácido nucleico para acortar los tiempos de síntesis de oligonucleótidos y reducir los requisitos químicos.

En la técnica existen diversos ejemplos que describen modificaciones de azúcares, bases y fosfatos que pueden introducirse en moléculas de ácidos nucleicos con un aumento significativo de su eficacia y estabilidad a nucleasa. Por ejemplo, los oligonucleótidos se modifican para aumentar la estabilidad y/o aumentar la actividad biológica, por modificación con grupos resistentes a nucleasa, por ejemplo, 2'-amino, 2'-C-alilo, 2'-fluoro, 2'-O-metilo, 2'-O-alilo, 2'-H, modificaciones de las bases de nucleótidos (para una revisión véase Usman y Cedergren, 1992, TIBS. 17, 34; Usman y col., 1994, Nucleic Acids Symp. Ser. 31, 163; Burgin y col., 1996, Biochemistry, 35, 14090). La modificación de los azúcares de las moléculas de ácido nucleico se ha descrito ampliamente en la técnica (véase Eckstein y col., Publicación Internacional PCT N° WO 92/07065; Perrault y col. Nature, 1990, 344, 565-568; Pieken y col. Science, 1991, 253, 314-317; Usman y Cedergren, Trends in Biochem. Sci. , 1992, 17, 334-339; Usman y col. *Publicación Internacional PCT* N° WO 93/15187; Sproat, Patente de Estados Unidos N° 5.334.711 y Beigelman y col., 1995, J. Biol. Chem., 270, 25702; Beigelman y col., Publicación Internacional PCT N° WO 97/26270; Beigelman y col., Patente de Estados Unidos N° 5.716.824; Usman y col., Patente de Estados Unidos N° 5.627.053; Woolf y col., Publicación Internacional PCT N° WO 98/13526; Thompson y col., USSN 60/082,404 que se presentó el 20 de abril de 1998; Karpeisky y col., 1998, Tetrahedron Lett., 39, 1131; Earnshaw y Gait, 1998, Biopolymers (Nucleic Acid Sciences), 48, 39-55; Verma y Eckstein, 1998, Annu. Rev. Biochem., 67, 99-134; y Burlina y col., 1997, Bioorg. Med. Chem., 5, 1999-2010. Dichas publicaciones describen procedimientos y estrategias generales para determinar la localización de incorporación de las modificaciones de los azúcares, bases y/o fosfatos y similares en las moléculas de ácido nucleico sin modular la catálisis, y se incorporan en el presente documento por referencia. A la vista de dichos contenidos, pueden usarse modificaciones similares, como se describe en el presente documento, para modificar las moléculas de ácido nucleico ANic de la presente invención siempre que no se inhiba de manera significativa la capacidad del ANic para promover la iARN en las células.

Aunque la modificación química de enlaces internucleotídicos de oligonucleótidos con enlaces fosforotioato, fosforoditioato y/o 5'-metilfosfonato mejora la estabilidad, excesivas modificaciones pueden causar cierta toxicidad o disminuir la actividad. Por lo tanto, cuando se diseñan moléculas de ácido nucleico, debería minimizarse la cantidad de estos enlaces internucleotídicos. La reducción de la concentración de estos enlaces debería disminuir la toxicidad, dando como resultado una eficacia aumentada y una mayor especificidad de estas moléculas.

Se proporcionan moléculas de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) que tienen modificaciones químicas que mantienen o aumentan la actividad. Generalmente, dicho ácido nucleico también es más resistente a nucleasas que un ácido nucleico no modificado. Por consiguiente, la actividad *in vitro* y/o *in vivo* no debería disminuirse significativamente. En los casos en los que el objetivo sea la modulación, las moléculas de ácido nucleico terapéuticas suministradas de manera exógena deberían ser óptimamente estables dentro de las células hasta que la traducción del ARN diana se haya modulado suficiente tiempo para reducir los niveles de la proteína no deseable. Este periodo de tiempo varía de horas a días dependiendo de la patología. Las mejoras en la síntesis química del ARN y del ADN (Wincott y col., 1995, Nucleic Acids Res. 23, 2677; Caruthers y col., 1992, Methods in Enzymology 211,3-19) han ampliado la capacidad para modificar moléculas de ácido nucleico introduciendo modificaciones de nucleótidos para aumentar su estabilidad frente a nucleasa, como se ha descrito anteriormente.

En una realización, las moléculas de ácido nucleico de la invención incluyen uno o más (por ejemplo, aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, o más) nucleótidos de fijación a G. Un nucleótido de fijación de G es un análogo de citosina modificado en el que las modificaciones confieren la capacidad de unir mediante enlaces de hidrógeno ambas caras de Watson-Crick y Hoogsteen de una guanina complementaria dentro de un dúplex, véase por ejemplo Lin y Matteucci, 1998, J. Am Chem. Soc., 120, 8531-8532. Una sola sustitución de análogo de fijación de G dentro de un oligonucleótido puede dar como resultado una estabilidad térmica helicoidal sustancialmente aumentada y una discriminación de emparejamientos erróneos cuando hibrida con oligonucleótidos complementarios. La inclusión de dichos nucleótidos en las moléculas de ácido nucleico de la invención da como resultado tanto una afinidad como una especificidad aumentadas hacia dianas de ácido nucleico, secuencias complementarias o cadenas de molde. En otra realización, las moléculas de ácido nucleico de la invención incluyen uno o más (por ejemplo, aproximadamente 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, o más) nucleótidos de "ácido nucleico bloqueado" LNA tales como un 2',4'-C-metileno bíciclo nucleótido (véase por ejemplo Wengel y col., Publicación Internacional PCT N° WO 00/66604 y WO 99/14226).

En otra realización, la invención presenta conjugados y/o complejos de moléculas de ANic de la invención. Dichos conjugados y/o complejos pueden usarse para facilitar el suministro de moléculas de ANic en un sistema biológico, tal como una célula. Los conjugados y complejos que proporciona la presente invención pueden conferir actividad terapéutica transfiriendo compuestos terapéuticos a través de membranas celulares, modificando la farmacocinética y/o modulando la localización de las moléculas de ácido nucleico de la invención. La presente invención incluye el diseño y síntesis de nuevos conjugados y complejos para el suministro de moléculas, incluyendo, pero sin limitación, pequeñas moléculas, lípidos, fosfolípidos, nucleósidos, nucleótidos, ácidos nucleicos, anticuerpos, toxinas, polímeros cargados negativamente y otros polímeros, por ejemplo, proteínas, péptidos, hormonas, carbohidratos, polietilenglicoles o poliaminas, a través de membranas celulares. En general, los transportadores descritos se diseñan para su uso de manera individual o como parte de un sistema multicomponente, con o sin engarces degradables. Se espera que estos compuestos mejoren el suministro y/o la localización de las moléculas de ácido nucleico de la invención en diversos tipos de células obtenidas a partir de tejidos diferentes, en presencia o en ausencia de suero (véase Sullenger y Cech, Patente de Estados Unidos N° 5.854.038). Los conjugados de las moléculas descritos en el presente documento pueden unirse a moléculas biológicamente activas mediante engarces que son biodegradables, tales como moléculas de engarce de ácidos nucleicos biodegradables.

La expresión "engarce biodegradable", como se usa en el presente documento, se refiere a una molécula de engarce de ácido nucleico o que no es de ácido nucleico diseñada como un engarce biodegradable para unir una molécula a otra molécula, por ejemplo, una molécula biológicamente activa a una molécula de ANic de la invención o las cadenas con sentido y antisentido de una molécula de ANic de la invención. El engarce biodegradable se diseña de manera que su estabilidad pueda modularse para un fin particular, tal como el suministro a un tipo de tejido o célula particular. La estabilidad de una molécula de engarce biodegradable basada en ácido nucleico puede modularse usando diversas químicas, por ejemplo combinaciones de ribonucleótidos, desoxirribonucleótidos y nucleótidos químicamente modificados, tales como 2'-O-metilo, 2'-fluoro, 2'-amino, 2'-O-amino, 2'-C-alilo, 2'-O-alilo y otros nucleótidos con bases modificadas o modificaciones en la posición 2'. La molécula de engarce de ácido nucleico biodegradable puede ser un dímero, trímero, tetrámero o una molécula de ácido nucleico de mayor tamaño, por ejemplo, un oligonucleótido de aproximadamente 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17, 18, 19 ó 20 nucleótidos de longitud, o puede comprender un solo nucleótido con un enlace basado en fósforo, por ejemplo, un enlace fosforamidato o fosfodiéster. La molécula de engarce de ácido nucleico biodegradable también puede comprender modificaciones de la cadena principal del azúcar del ácido nucleico o de la base del ácido nucleico.

El término "biodegradable", como se usa en el presente documento, se refiere a la degradación en un sistema biológico, por ejemplo degradación enzimática o degradación química.

La expresión "molécula biológicamente activa", como se usa en el presente documento, se refiere a compuestos o moléculas que son capaces de generar o modificar una respuesta biológica en un sistema. Los ejemplos no

limitantes de moléculas de ANic biológicamente activas en solitario o en combinación con otras moléculas que contempla la presente invención incluyen moléculas terapéuticamente activas tales como anticuerpos, hormonas, antivirales, péptidos, proteínas, quimioterápicos, moléculas pequeñas, vitaminas, cofactores, nucleósidos, nucleótidos, oligonucleótidos, ácidos nucleicos enzimáticos, ácidos nucleicos antisentido, oligonucleótidos que forman tríplex, quimeras 2,5-A, ANic, ARNbc, alozimas, aptámeros, señuelos y análogos de los mismos. Las moléculas biológicamente activas de la invención también incluyen moléculas capaces de modular la farmacocinética y/o farmacodinámica de otras moléculas biológicamente activas, por ejemplo, lípidos y polímeros tales como poliaminas, poliamidas, polietilenglicol y otros poliéteres.

El término "fosfolípido", como se usa en el presente documento, se refiere a una molécula hidrófoba que comprende al menos un grupo de fósforo. Por ejemplo, un fosfolípido puede comprender un grupo que contiene fósforo y un grupo alquilo saturado o insaturado, opcionalmente sustituido con grupos OH, COOH, oxo, amina, o grupos arilo sustituidos o no sustituidos.

Las moléculas de ácido nucleico terapéuticas (por ejemplo moléculas de ANic) suministradas de manera exógena son óptimamente estables dentro de las células hasta que la transcripción inversa del ARN se haya modulado suficiente tiempo para reducir los niveles del transcrito de ARN. Las moléculas de ácido nucleico son resistentes a nucleasas para funcionar como agentes terapéuticos intracelulares eficaces. Las mejoras en la síntesis química de las moléculas de ácido nucleico descritas en la presente invención y en la técnica han ampliado la capacidad de modificar las moléculas de ácido nucleico introduciendo modificaciones de nucleótidos para aumentar su estabilidad frente a nucleasa como se ha descrito anteriormente.

En otra realización más, se proporcionan moléculas de ANic que tienen modificaciones químicas que mantienen o aumentan la actividad enzimática de las proteínas implicadas en la iARN. Generalmente, dichos ácidos nucleicos también son más resistentes a nucleasas que los ácidos nucleicos no modificados. Por lo tanto, la actividad *in vitro* y/o *in vivo* no debería disminuirse significativamente.

El uso de las moléculas basadas en ácido nucleico de la invención conducirá a un mejor tratamiento del avance de la enfermedad ofreciendo la posibilidad de terapias de combinación (por ejemplo moléculas de ANic múltiples dirigidas a genes diferentes; moléculas de ácido nucleico acopladas a moduladores conocidos de moléculas pequeñas; o tratamiento intermitente con combinaciones de moléculas, incluyendo diferentes motivos y/u otras moléculas químicas o biológicas). El tratamiento de sujetos con moléculas de ANic también puede incluir combinaciones de diferentes tipos de moléculas de ácido nucleico, tales como moléculas de ácido nucleico enzimáticas (ribozimas), alozimas, antisentido, 2,5-A oligoadenilato, señuelos y aptámeros.

En otro aspecto, una molécula de ANic de la invención comprende una o más estructuras de protección 5' y/o 3', por ejemplo sólo en la cadena de ANic con sentido, en la cadena de ANic antisentido o en ambas cadenas de ANic.

Por "estructura de protección" se quiere significar modificaciones químicas, que se han incorporado en cualquiera de los extremos terminales del oligonucleótido (véase, por ejemplo, Adamic y col., Patente de Estados Unidos N° 5.998.203, incorporada en el presente documento por referencia). Estas modificaciones terminales protegen a la molécula de ácido nucleico de la degradación por exonucleasa y pueden ayudar al suministro y/o localización dentro de una célula. La protección puede estar presente en el extremo 5' (protección 5') o en el extremo 3' (protección 3') o puede estar presente en ambos extremos terminales. En ejemplos no limitantes, la protección 5' se selecciona del grupo que consiste en glicerilo, resto (residuo) abásico desoxi invertido; 4',5'-metileno nucleótido; 1-(beta-D-eritrofuranosil) nucleótido; 4'-tio nucleótido; nucleótido carbocíclico; 1,5-anhidrohexitol nucleótido; L-nucleótidos; alfa-nucleótidos, nucleótidos con base modificada; enlace fosforoditioato; *treo*-pentofuranosil nucleótido; 3',4'-seco nucleótido acíclico; 3,4-dihidroxibutil nucleótido acíclico; 3,5-dihidroxipentil nucleótido acíclico, resto nucleotídico 3'-3' invertido; resto abásico 3'-3' invertido; resto nucleotídico 3'-2' invertido; resto abásico 3'-2' invertido; 1,4-butanodiol fosfato; 3'-fosforamidato; hexilfosfato; aminohexil fosfato; 3'-fosfato; 3'-fosforotioato; fosforoditioato o resto metilfosfonato formador o no formador de puentes.

En ejemplos no limitantes, la protección 3' se selecciona del grupo que consiste en, glicerilo, resto (residuo) abásico desoxi invertido, 4',5'-metileno nucleótido; 1-(beta-D-eritrofuranosil) nucleótido; 4'-tio nucleótido; nucleótido carbocíclico; 5'-amino-alquil fosfato; 1,3-diamino-2-propil fosfato; 3-aminopropil fosfato; 6-aminohexil fosfato; 1,2-aminododecil fosfato; hidroxipropil fosfato; 1,5-anhidrohexitol nucleótido; L-nucleótido; alfa-nucleótido; nucleótido con base modificada; fosforoditioato; *treo*-pentofuranosil nucleótido; 3',4'-seco nucleótido acíclico; 3,4-dihidroxibutil nucleótido; 3,5-dihidroxipentil nucleótido; resto nucleotídico 5'-5'-invertido; resto abásico 5'-5'-invertido; 5'-fosforamidato; 5'-fosforotioato; 1,4-butanodiol fosfato; 5'-amino; 5'-fosforamidato, fosforotioato y/o fosforoditioato formador y/o no formador de puentes, restos metilfosfonato y 5'-mercapto formadores y/o no formadores de puentes (para más detalles véase Beaucage y Iyer, 1993, Tetrahedron 49, 1925; incorporado por referencia en el presente documento).

La expresión "no nucleotídico" significa cualquier grupo o compuesto que puede incorporarse en una cadena de

ácido nucleico en el lugar de una o más unidades de nucleótidos, incluyendo sustituciones de azúcares y/o fosfato, y permite que el resto de bases muestren su actividad enzimática. El grupo o compuesto es abásico ya que no contiene una base nucleotídica comúnmente reconocida, tal como adenosina, guanina, citosina, uracilo o timina y por lo tanto carece de una base en la posición 1'.

- 5 Un grupo "alquilo" se refiere a un hidrocarburo alifático saturado, incluyendo grupos alquilo de cadena lineal, cadena ramificada y cíclicos. Preferentemente, el grupo alquilo tiene de 1 a 12 carbonos. Más preferentemente, es un alquilo inferior de 1 a 7 carbonos, más preferentemente de 1 a 4 carbonos. El grupo alquilo puede estar sustituido o no sustituido. Cuando está sustituido el grupo (o grupos) sustituido es preferentemente hidroxilo, ciano, alcoxi, =O, =S, NO₂ o N(CH₃)₂, amino o SH. El término también incluye grupos alqueno que son grupos
- 10 hidrocarburo insaturados que contienen al menos un doble enlace carbono-carbono, incluyendo grupos de cadena lineal, cadena ramificada o cíclicos. Preferentemente, el grupo alqueno tiene de 1 a 12 carbonos. Más preferentemente, es un alqueno inferior de 1 a 7 carbonos, más preferentemente de 1 a 4 carbonos. El grupo alqueno puede estar sustituido o no sustituido. Cuando está sustituido, el grupo (o grupos) sustituido es preferentemente hidroxilo, ciano, alcoxi, =O, =S, NO₂, halógeno, N(CH₃)₂, amino o SH. El término "alquilo" también
- 15 incluye grupos alquilo que tienen un grupo hidrocarburo insaturado que contiene al menos un triple enlace carbono-carbono, incluyendo grupos de cadena lineal, cadena ramificada o cíclicos. Preferentemente, el grupo alquilo tiene de 1 a 12 átomos de carbono. Más preferentemente, es un alquilo inferior de 1 a 7 carbonos, más preferentemente de 1 a 4 carbonos. El grupo alquilo puede estar sustituido o no sustituido. Cuando está sustituido el grupo (o grupos) es preferentemente hidroxilo, ciano, alcoxi, =O, =S, NO₂ o N(CH₃)₂, amino o SH.
- 20 Dichos grupos alquilo también pueden incluir grupos arilo, alquilarilo, arilo carbocíclico, arilo heterocíclico, amida y éster. Un grupo "arilo" se refiere a un grupo aromático que tiene al menos un anillo que tiene un sistema de electrones pi conjugados e incluye grupos arilo carbocíclico, arilo heterocíclico y biarilo, pudiendo todos estar opcionalmente sustituidos. El sustituyente (o sustituyentes) preferido de grupos arilo son grupos halógeno, trihalometilo, hidroxilo, SH, OH, ciano, alcoxi, alquilo, alqueno, alquilo y amino. Un grupo "alquilarilo" se refiere
- 25 a un grupo alquilo (como se ha descrito anteriormente) unido covalentemente a un grupo arilo (como se ha descrito anteriormente). Los grupos arilo carbocíclicos son grupos en los que los átomos del anillo en el anillo aromático son todos átomos de carbono. Los átomos de carbono están opcionalmente sustituidos. Los grupos arilo heterocíclicos son grupos que tienen de 1 a 3 heteroátomos como átomos del anillo en el anillo aromático y el resto de los átomos del anillo son átomos de carbono. Los heteroátomos adecuados incluyen oxígeno, azufre y nitrógeno, e incluyen furanilo, tienilo, piridilo, pirrolilo, N-alquil inferior pirrolo, pirimidilo, pirazinilo, imidazolilo y similares, opcionalmente todos sustituidos. Una "amida" se refiere a un -C(O)-NH-R, en el que R es alquilo, arilo, alquilarilo o hidrógeno. Un "éster" se refiere a un -C(O)-OR', en el que R es alquilo, arilo, alquilarilo o hidrógeno.

- 35 "Nucleótido", como se usa en el presente documento, debe incluir, como se reconoce en la técnica, bases naturales (convencionales) y bases modificadas bien conocidas en la técnica. Dichas bases se localizan generalmente en la posición 1' de un resto de azúcar de nucleótido. Los nucleótidos generalmente comprenden una base, un azúcar y un grupo fosfato. Los nucleótidos pueden tener el resto de azúcar, fosfato y/o base modificado o no modificado (denominados también indistintamente análogos de nucleótidos, nucleótidos modificados, nucleótidos no naturales, nucleótidos no convencionales y otros; véase, por ejemplo, Usman y McSwiggen, anteriormente; Eckstein y col., Publicación Internacional PCT N° WO 92/07065; Usman y col., Publicación Internacional PCT N° WO 93/15187; Uhlman y Peyman, anteriormente, incorporándose todos en el presente documento por referencia). Existen diversos ejemplos de bases de ácidos nucleicos modificadas conocidos en la técnica, como se resumen por Limbach y col., 1994, *Nucleic Acids Res.* 22, 2183. Algunos de los ejemplos no
- 40 limitantes de modificaciones de bases que pueden introducirse en las moléculas de ácido nucleico incluyen inosina, purina, piridin-4-ona, piridin-2-ona, fenilo, pseudouracilo, 2,4,6-trimetoxi benceno, 3-metil uracilo, dihidouridina, naftilo, aminofenilo, 5-alquilcitosinas (por ejemplo, 5-metilcitosina), 5-alquiluridinas (por ejemplo, ribotimidina), 5-halouridina (por ejemplo, 5-bromouridina) o 6-azapirimidinas o 6-alquilpirimidinas (por ejemplo 6-metiluridina), propina y otras (Burgin y col., 1996, *Biochemistry*, 35, 14090; Uhlman y Peyman, anteriormente). Por "bases modificadas" en este aspecto se entienden bases de nucleótidos distintas de adenina, guanina, citosina y uracilo en la posición 1' o sus equivalentes.

- 50 En una realización, la invención ofrece moléculas de ANic modificadas, con modificaciones de la cadena principal de fosfato que comprenden una o más sustituciones de fosforotioato, fosforoditioato, metilfosfonato, fosfotriéster, morfolino, amidato carbamato, carboximetilo, acetamidato, poliamida, sulfonato, sulfonamida, sulfamato, formacetal, tioformacetal, y/o alquilsililo. Para una revisión de las modificaciones de la cadena principal de oligonucleótidos, véase Hunziker y Leumann, 1995, *Nucleic Acid Analogues: Synthesis and Properties*, in *Modern Synthetic Methods*, VCH, 331-417, y Mesmaeker y col., 1994, *Novel Backbone Replacements for Oligonucleotides*, in *Carbohydrate Modifications in Antisense Research*, ACS, 24-39.

Por "abásico" se quiere significar restos de azúcares que carecen de una base o que tienen otros grupos químicos en lugar de una base en la posición 1', véase por ejemplo Adamic y col., Patente de Estados Unidos N° 5.998.203.

Por "nucleósido no modificado" se quiere significar una de las bases de adenina, citosina, guanina, timina o uracilo unidas al carbono 1' de la β -D-ribo-furanosa.

Por "nucleósido modificado" se quiere significar cualquier base nucleotídica que contiene una modificación en la estructura química de una base, azúcar y/o fosfato de nucleótido no modificado. Las fórmulas I-VII muestran ejemplos no limitantes de nucleótidos modificados y/u otras modificaciones descritas en el presente documento.

Con referencia a los nucleótidos modificados en posición 2', como se describe para la presente invención, por "amino" se entiende 2'-NH₂ o 2'-O-NH₂, que pueden estar modificados o no modificados. Dichos grupos modificados se describen, por ejemplo, por Eckstein y col., Patente de Estados Unidos N° 5.672.695 y Matulic-Adamic y col., Patente de Estados Unidos N° 6.248.878, incorporándose ambas por referencia en el presente documento en su totalidad.

Para aumentar la utilidad de estas moléculas, pueden realizarse diversas modificaciones en la estructura de ácido nucleico del ANic. Dichas modificaciones aumentarán la vida útil, semivida *in vitro*, estabilidad y facilitará la introducción de dichos oligonucleótidos en el sitio diana, por ejemplo, para aumentar la penetración de membranas celulares y conferir la capacidad de reconocer y unirse a células diana.

Administración de Moléculas de Ácido Nucleico

Una molécula de ANic de la invención puede adaptarse para su uso para tratar cualquier enfermedad, infección o afección asociada con la expresión génica y otras indicaciones que pueden responder a nivel de producto génico en un tejido o célula, en solitario o en combinación con otras terapias. Por ejemplo, una molécula de ANic puede comprender un vehículo de suministro, incluyendo liposomas, para su administración a un sujeto, vehículos y diluyentes y sus sales y/o puede estar presente en formulaciones farmacéuticamente aceptables. Se describen procedimientos para el suministro de moléculas de ácido nucleico en Akhtar y col., 1992, Trends Cell Bio., 2, 139; Delivery Strategies for Antisense Oligonucleotide Therapeutics, ed. Akhtar, 1995, Maurer y col., 1999, Mol. Membr. Biol., 16, 129-140; Hofland y Huang, 1999, Handb. Exp. Pharmacol., 137, 165-192; y Lee y col., 2000, ACS Symp. Ser., 752, 184-192, incorporándose todas en el presente documento por referencia. Beigelman y col., Patente de Estados Unidos N° 6.395.713 y Sullivan y col., documento PCT WO 94/02595 describen adicionalmente los procedimientos generales para el suministro de moléculas de ácido nucleico. Estos protocolos pueden utilizarse para el suministro de prácticamente cualquier molécula de ácido nucleico. Las moléculas de ácido nucleico pueden administrarse a células mediante una diversidad de procedimientos conocidos por los expertos en la materia, incluyendo, pero sin limitación, la encapsulación en liposomas, por iontoforesis, o por incorporación en otros vehículos, tales como hidrogeles, ciclodextrinas (véase, por ejemplo González y col., 1999, Bioconjugate Chem., 10, 1068-1074), nanocápsulas biodegradables y microesferas bioadhesivas, o por vectores proteicos (O'Hare y Normand, Publicación Internacional PCT N° WO 00/53722). Como alternativa, la combinación de ácido nucleico/vehículo se suministra localmente por inyección directa o usando una bomba de infusión. La inyección directa de las moléculas de ácido nucleico de la invención, por vía subcutánea, intramuscular o intradérmica, puede realizarse usando metodologías con aguja y jeringa convencionales o tecnologías sin aguja tales como las descritas en Conry y col., 1999, Clin. Cancer Res., 5, 2330-2337 y Barry y col., Publicación Internacional PCT N° WO 99/31262. Muchos ejemplos en la técnica describen procedimientos de suministro de oligonucleótidos en el SNC por bomba osmótica (véase, Chun y col., 1998, Neuroscience Letters, 257, 135-138, D'Aldin y col., 1998, Mol. Brain Research, 55, 151-164, Dryden y col., 1998, J. Endocrinol., 157, 169-175, Ghirnkar y col., 1998, Neuroscience Letters, 247, 21-24) o infusión directa (Broaddus y col., 1997, Neurosurg. Focus, 3, artículo 4). Otras vías de suministro incluyen, pero sin limitación, suministro oral (en forma de comprimido o píldora) y/o suministro intratecal (Gold, 1997, Neuroscience, 76, 1153-1158). Se proporcionan descripciones más detalladas del suministro y administración de ácidos nucleicos por Sullivan y col., anteriormente, Draper y col., PCT WO93/23569, Beigelman y col., PCT WO99/05094 y Klimuk y col., PCT WO99/04819, incorporándose todas por referencia en el presente documento. Las moléculas de la presente invención pueden usarse como agentes farmacéuticos. Los agentes farmacéuticos previenen, modulan la aparición o tratan (alivio de un síntoma en cierta medida, preferentemente todos los síntomas) de una patología en un sujeto.

Además, la invención quiere presentar el uso de procedimientos para suministrar las moléculas de ácido nucleico de la presente invención a células hematopoyéticas, incluyendo monocitos y linfocitos. Estos procedimientos se describen con detalle por Hartmann y col., 1998, J. Pharmacol. Exp. Ther., 285(2), 920-928; Kronenwett y col., 1998, Blood, 91(3), 852-862; Filion y Phillips, 1997, Biochim. Biophys. Acta., 1329(2), 345-356; Ma y Wei, 1996, Leuk Res., 20(11/12), 925-930; y Bongartz y col., 1994, Nucleic Acids Research, 22(22), 4681-8. Dichos procedimientos, como se ha descrito anteriormente, incluyen el uso de oligonucleótidos libres, formulaciones de lípidos catiónicos, formulaciones liposomales incluyendo liposomas e inmunoliposomas sensibles al pH y bioconjugados incluyendo oligonucleótidos conjugados con péptidos fusogénicos, para la transfección de células hematopoyéticas con oligonucleótidos.

Por lo tanto, la invención presenta una composición farmacéutica que comprende uno o más ácidos nucleicos de la invención en un vehículo aceptable, tal como un estabilizante, tampón y similar. Los polinucleótidos de la invención pueden administrarse (por ejemplo, ARN, ADN o proteína) e introducirse en un sujeto por cualquier medio convencional, con o sin estabilizantes, tampones y similares, para formar una composición farmacéutica.

5 Cuando se desea usar un mecanismo de suministro liposomal, pueden seguirse protocolos convencionales para la formación de liposomas. Las composiciones de la presente invención también pueden formularse y usarse como comprimidos, cápsulas o elixires para administración oral, supositorios para administración rectal, soluciones y suspensiones estériles para la administración inyectable y las otras composiciones conocidas en la técnica.

10 La presente invención también incluye formulaciones farmacéuticamente aceptables de los compuestos descritos. Estas formulaciones incluyen sales de los compuestos anteriores, por ejemplo, sales de adición de ácidos, por ejemplo, sales de ácido clorhídrico, bromhídrico, acético y ácido benceno sulfónico.

15 Una composición o formulación farmacológica se refiere a una composición o formulación en una forma adecuada para la administración, por ejemplo, administración sistémica, en una célula o sujeto, incluyendo por ejemplo un ser humano. Las formas adecuadas dependen, en parte, del uso o la vía de entrada, por ejemplo, oral, transdérmica o por inyección. Dichas formas no deberían impedir que la composición o formulación alcance una célula diana (es decir, una célula en la que sea deseable el suministro del ácido nucleico cargado negativamente). Por ejemplo, las composiciones farmacológicas inyectadas en el torrente sanguíneo deberían ser solubles. En la técnica se conocen otros factores e incluyen consideraciones tales como la toxicidad y formas que impiden que la composición o formulación ejerza su efecto.

20 Por "administración sistémica" se quiere significar la absorción o acumulación sistémica *in vivo* de fármacos en el torrente sanguíneo, seguida de la distribución por todo el cuerpo. Las vías de administración que conducen a la absorción sistémica incluyen, sin limitación: intravenosa, subcutánea, intraperitoneal, por inhalación, oral, intrapulmonar e intramuscular. Cada una de estas vías de administración expone las moléculas de ANic de la invención a un tejido enfermo accesible. Se ha demostrado que la velocidad de entrada de un fármaco en la circulación está en función del peso o tamaño molecular. El uso de un liposoma u otro vehículo farmacológico que comprende los compuestos de la presente invención posiblemente puede localizar el fármaco, por ejemplo, en determinados tipos de tejidos, tales como los tejidos del sistema reticuloendotelial (SRE). También es útil una formulación liposomal que pueda facilitar la asociación del fármaco con la superficie de las células, tales como linfocitos y macrófagos. Esta estrategia puede proporcionar un suministro aumentado del fármaco a células diana aprovechando la especificidad del reconocimiento inmune por macrófagos y linfocitos de células anómalas, tales como células que producen MDR en exceso

35 Por "formulación farmacéuticamente aceptable" se quiere significar una composición o formulación que permite distribuir eficazmente las moléculas de ácido nucleico de la presente invención en la localización física más adecuada para su actividad deseada. Los ejemplos no limitantes de agentes adecuados para la formulación con las moléculas de ácido nucleico de la presente invención incluyen: inhibidores de glicoproteína P (tales como Pluronic P85), que pueden aumentar la entrada de fármacos en el SNC (Jolliet-Riant y Tillement, 1999, *Fundam. Clin. Pharmacol.*, 13, 16-26); polímeros biodegradables, tales como microesferas de poli (DL-lactida-coglicolida) para el suministro de liberación sostenida después de su implantación intracerebral (Emerich, DF y col., 1999, *Cell Transplant*, 8, 47-58) (Alkermes, Inc. Cambridge, MA); y nanopartículas cargadas, tales como las compuestas por polibutílicianoacrilato, que pueden suministrar fármacos a través de la barrera hematoencefálica y pueden modificar los mecanismos de captación neuronal (*Prog Neuropsychopharmacol Biol Psychiatry*, 23, 941-949, 1999). Otros ejemplos no limitantes de estrategias de suministro para las moléculas de ácido nucleico de la presente invención incluyen material descrito por Boado y col., 1998, *J. Pharm. Sci.*, 87, 1308-1315; Tyler y col., 1999, *FEBS Lett.*, 421, 280-284; Pardridge y col., 1995, *PNAS USA.*, 92, 5592-5596; Boado, 1995, *Adv. Drug Delivery Rev.*, 15, 73-107; Aldrian-Herrada y col., 1998, *Nucleic Acids Res.*, 26, 4910-4916; y Tyler y col., 1999, *PNAS USA.*, 96, 7053-7058.

50 La invención también ofrece el uso de la composición que comprende liposomas de superficie modificada que contienen lípidos de poli(etilenglicol) (liposomas modificados con PEG o de circulación prolongada o liposomas sigilosos (Stealth)). Estas formulaciones ofrecen un procedimiento para aumentar la acumulación de fármacos en tejidos diana. Esta clase de vehículos farmacológicos son resistentes a la opsonización y eliminación por el sistema mononuclear fagocítico (SMF o SRE), permitiendo de esta manera tiempos de circulación en sangre más prolongados y una exposición tisular aumentada para el fármaco encapsulado (Lasic y col. *Chem. Rev.* 1995, 95, 2601-2627; Ishiwata y col., *Chem. Pharm. Bull.* 1995, 43, 1005-1011). Se ha demostrado que dichos liposomas se acumulan selectivamente en tumores, supuestamente por extravasación y captura en los tejidos diana neovascularizados (Lasic y col., *Science* 1995, 267, 1275-1276; Oku y col., 1995, *Biochim. Biophys. Acta*, 1238, 86-90). Los liposomas de circulación prolongada mejoran la farmacocinética y farmacodinámica del ADN y ARN, particularmente en comparación con liposomas catiónicos convencionales que se sabe que se acumulan en tejidos del SMF (Liu y col., *J. Biol. Chem.* 1995, 270, 24864-24870; Choi y col., *Publicación Internacional PCT* N° WO

96/10391; Ansell y col., Publicación Internacional PCT N° WO 96/10390; Holland y col., Publicación Internacional PCT N° WO 96/10392). También es probable que los liposomas de circulación prolongada protejan a los fármacos de la degradación por nucleasa en mayor medida en comparación con los liposomas catiónicos, basándose en su capacidad para evitar su acumulación en tejidos del SMF metabólicamente agresivos tales como el hígado y el bazo.

La presente invención también incluye composiciones preparadas para el almacenamiento o administración que incluyen una cantidad farmacéuticamente eficaz de los compuestos deseados en un vehículo o diluyente farmacéuticamente aceptable. Los vehículos o diluyentes aceptables para su uso terapéutico se conocen bien en la técnica farmacéutica, y se describen, por ejemplo, en *Remington's Pharmaceutical Sciences*, Mack Publishing Co. (A.R. Gennaro edit. 1985), incorporado en el presente documento por referencia. Por ejemplo, pueden proporcionarse agentes conservantes, estabilizantes, colorantes y saporíferos. Éstos incluyen benzoato sódico, ácido sórbico y ésteres del ácido *p*-hidroxibenzoico. Además, pueden usarse agentes antioxidantes y de suspensión.

Una dosis farmacéuticamente eficaz es esa dosis necesaria para prevenir, inhibir la aparición o tratar (aliviar un síntoma en cierta medida, preferentemente todos los síntomas) de una patología. La dosis farmacéuticamente eficaz depende del tipo de enfermedad, de la composición usada, de la vía de administración, del tipo de mamífero a tratar, de las características físicas del mamífero específico en cuestión, de la medicación simultánea y otros factores que reconocerán los expertos en la técnica médica. Generalmente, dependiendo de la potencia del polímero cargado negativamente, se administra una cantidad de entre 0,1 mg/kg y 100 mg/kg de peso corporal/día de los principios activos.

Las moléculas de ácido nucleico de la invención y las formulaciones de las mismas pueden administrarse por vía oral, por vía tópica, por vía parenteral, por inhalación o pulverización o por vía rectal en formulaciones unitarias de dosificación que contienen vehículos, adyuvantes y/o excipientes farmacéuticamente aceptables no tóxicos convencionales. El término parenteral, como se usa en el presente documento, incluye técnicas de inyección o infusión percutánea, subcutánea, intravascular (por ejemplo, intravenosa), intramuscular o intratecal y similares. Además, se proporciona una formulación farmacéutica que comprende una molécula de ácido nucleico de la invención y un vehículo farmacéuticamente aceptable. Una o más moléculas de ácido nucleico de la presente invención pueden estar presentes en asociación con uno o más vehículos y/o diluyentes y/o adyuvantes farmacéuticamente aceptables no tóxicos y, si se desea, con otros principios activos. Las composiciones farmacéuticas que contienen moléculas de ácido nucleico de la invención pueden estar en una forma adecuada para su uso oral, por ejemplo, como comprimidos, trociscos, pastillas, suspensiones acuosas u oleosas, polvos o gránulos dispersables, emulsión, cápsulas duras o blandas, o jarabes o elixires.

Las composiciones destinadas a uso oral pueden prepararse de acuerdo con cualquier procedimiento conocido en la técnica para la fabricación de composiciones farmacéuticas y dichas composiciones pueden contener uno o más de dichos agentes edulcorantes, agentes saporíferos, agentes colorantes o agentes conservantes para proporcionar preparaciones farmacéuticamente elegantes y apetecibles. Los comprimidos contienen el principio activo mezclado con excipientes no tóxicos farmacéuticamente aceptables que son adecuados para la fabricación de comprimidos. Estos excipientes pueden ser, por ejemplo, diluyentes inertes, tales como carbonato de calcio, carbonato de sodio, lactosa, fosfato de calcio o fosfato de sodio; agentes disgregantes y de granulación, por ejemplo, almidón de maíz o ácido alginico; agentes aglutinantes, por ejemplo almidón, gelatina o goma arábica; y agentes lubricantes, por ejemplo, estearato de magnesio, ácido esteárico o talco. Los comprimidos pueden no estar revestidos o pueden revestirse mediante técnicas conocidas. En algunos casos dichos revestimientos pueden prepararse por técnicas conocidas para retrasar la disgregación y absorción en el tracto gastrointestinal y proporcionar por lo tanto una acción sostenida durante un periodo más prolongado. Por ejemplo, puede emplearse un material retardante tal como monoestearato de glicerilo o diestearato de glicerilo.

Las formulaciones para uso oral también pueden presentarse como cápsulas de gelatina dura en las que el principio activo se mezcla con un diluyente sólido inerte, por ejemplo, carbonato de calcio, fosfato de calcio o caolín, o como cápsulas de gelatina blandas en las que el principio activo se mezcla con agua o con un medio oleoso, por ejemplo aceite de cacahuete, parafina líquida o aceite de oliva.

Las suspensiones acuosas contienen los materiales activos en una mezcla con excipientes adecuados para la fabricación de suspensiones acuosas. Dichos excipientes son agentes de suspensión, por ejemplo carboximetilcelulosa sódica, metilcelulosa, hidroxipropilmetilcelulosa, alginato de sodio, polivinilpirrolidona, goma de tragacanto y goma arábica; agentes dispersantes o humectantes que pueden ser una fosfatida de origen natural, por ejemplo, lecitina o productos de condensación de un óxido de alquileo con ácidos grasos, por ejemplo estearato de polioxietileno o productos de condensación de óxido de etileno con alcoholes alifáticos de cadena larga, por ejemplo heptadecaetilenoxietanol, o productos de condensación de óxido de etileno con ésteres parciales derivados de ácidos grasos y un hexitol tal como monooleato de polioxietilen sorbitán o productos de

condensación de óxido de etileno con ésteres parciales derivados de ácidos grasos y anhídridos de hexitol, por ejemplo monooleato de polietilen sorbitán. Las suspensiones acuosas también pueden contener uno o más conservantes, por ejemplo, etilo o p-hidroxibenzoato de n-propilo, uno o más agentes colorantes, uno o más agentes saboríferos y uno o más agentes edulcorantes, tales como sacarosa o sacarina.

- 5 Las suspensiones oleosas pueden formularse suspendiendo los principios activos en un aceite vegetal, por ejemplo aceite de cacahuete, aceite de oliva, aceite de sésamo o aceite de coco, o en un aceite mineral tal como parafina líquida. Las suspensiones oleosas pueden contener un agente espesante, por ejemplo, cera de abeja, parafina dura o alcohol cetílico. Pueden añadirse agentes edulcorantes y agentes saboríferos para proporcionar preparaciones orales apetecibles. Estas composiciones pueden conservarse añadiendo un antioxidante tal como ácido ascórbico.
- 10 Los polvos y gránulos dispersables adecuados para la preparación de una suspensión acuosa mediante la adición de agua proporcionan el principio activo mezclado con un agente dispersante o humectante, agente de suspensión y uno o más conservantes. Los agentes dispersantes o humectantes o agentes de suspensión adecuados se ilustran por los ya mencionados anteriormente. También pueden estar presentes excipientes adicionales, por ejemplo, agentes edulcorantes, saboríferos y colorantes.
- 15 Las composiciones farmacéuticas de la invención también pueden estar en forma de emulsiones de aceite en agua. La fase oleosa puede ser un aceite vegetal o un aceite mineral o mezclas de los mismos. Los agentes emulsionantes adecuados pueden ser gomas de origen natural, por ejemplo, goma arábica o goma de tragacanto, fosfatidas de origen natural, por ejemplo, semilla de soja, lecitina y ésteres o ésteres parciales derivados de ácidos grasos y hexitol, anhídridos, por ejemplo, monooleato de sorbitán, y productos de condensación de dichos ésteres
- 20 parciales con óxido de etileno, por ejemplo, monooleato de polioxietilen sorbitán. Las emulsiones también pueden contener agentes edulcorantes y saboríferos.

Pueden formularse jarabes y elixires con agentes edulcorantes, por ejemplo, glicerol, propilenglicol, sorbitol, glucosa o sacarosa. Dichas formulaciones también pueden contener un emoliente, un conservante y agentes saboríferos y colorantes. Las composiciones farmacéuticas pueden estar en forma de una suspensión acuosa u

- 25 oleosa inyectable estéril. Esta suspensión puede formularse de acuerdo con la técnica conocida usando los agentes de dispersión o humectantes y agentes de suspensión adecuados que se han mencionado anteriormente. La preparación inyectable estéril también puede ser una solución o suspensión inyectable estéril en un diluyente o disolvente no tóxico parenteralmente aceptable, por ejemplo, como una solución en 1,3-butanodiol. Entre los vehículos y disolventes aceptables que pueden emplearse están agua, solución de Ringer y solución de cloruro de sodio isotónica. Adicionalmente, como un disolvente o medio de suspensión se emplean de manera convencional aceites no volátiles estériles. Con este fin, puede emplearse cualquier aceite no volátil suave incluyendo mono- o diglicéridos sintéticos. Adicionalmente, se usan ácidos grasos tales como ácido oleico en la preparación de inyectables.
- 30 Las moléculas de ácido nucleico de la invención también pueden administrarse en forma de supositorios, por ejemplo, para la administración rectal del fármaco. Estas composiciones pueden prepararse mezclando el fármaco con un excipiente no irritante adecuado que sea sólido a las temperaturas habituales pero líquido a la temperatura rectal y, por lo tanto, se fundirá en el recto para liberar el fármaco. Dichos materiales incluyen manteca de cacao y polietilenglicoles.
- 35 Las moléculas de ácido nucleico de la invención pueden administrarse parenteralmente en un medio estéril. Dependiendo del vehículo y de la concentración usada, el fármaco puede suspenderse o disolverse en el vehículo. De manera ventajosa, en el vehículo pueden disolverse adyuvantes tales como anestésicos locales, conservantes y agentes de tamponantes.
- 40 Niveles de dosificación del orden de aproximadamente 0,1 mg a aproximadamente 140 mg por kilogramo de peso corporal por día son útiles en el tratamiento de las afecciones indicadas anteriormente (de aproximadamente 0,5 mg a aproximadamente 7 g por sujeto por día). La cantidad de principio activo que puede combinarse con los materiales de vehículo para producir una sola forma de dosificación varía dependiendo del huésped tratado y del modo de administración particular. Las formas unitarias de dosificación generalmente contienen entre aproximadamente 1 mg y aproximadamente 500 mg de un principio activo.
- 45 Se entiende que el nivel de dosis específico para cualquier sujeto particular depende de una diversidad de factores incluyendo la actividad del compuesto específico empleado, la edad, el peso corporal, salud general, sexo, dieta, momento de administración, vía de administración y velocidad de excreción, combinación de fármaco y gravedad de la enfermedad particular que se esté sometiendo a terapia.
- 50 Para la administración a animales no humanos, la composición también puede añadirse al pienso o agua de bebida del animal. Puede ser conveniente formular las composiciones de pienso y agua de bebida del animal de forma que el animal ingiera una cantidad terapéuticamente apropiada de la composición junto con su dieta.
- 55

También puede ser conveniente presentar la composición como una premezcla para adición al pienso o agua de bebida.

Las moléculas de ácido nucleico de la presente invención también pueden administrarse a un sujeto en combinación con otros compuestos terapéuticos para aumentar el efecto terapéutico global. El uso de múltiples compuestos para tratar una indicación puede aumentar los efectos beneficiosos a la vez que reduce la presencia de efectos secundarios.

En una realización, la invención comprende composiciones adecuadas para administrar moléculas de ácido nucleico de la invención a tipos celulares específicos. Por ejemplo, el receptor de asialoglicoproteína (ASGPr) (Wu y Wu, 1987, J. Biol. Chem. 262, 4429-4432) es único para los hepatocitos y se une a glicoproteínas con galactosa terminal ramificadas, tales como asialoorosomucoide (ASOR). En otro ejemplo, el receptor de folato se sobreexpresa en muchas células cancerosas. La unión de tales glicoproteínas, glicoconjugados sintéticos o folatos al receptor tiene lugar con una afinidad que depende claramente del grado de ramificación de la cadena oligosacárida, por ejemplo, se unen con mayor afinidad estructuras triantenarias que las cadenas biantenarias o monoantenarias (Baenziger y Fiete, 1980, Cell, 22, 611-620; Connolly y col., 1982, J. Biol. Chem., 257, 939-945). Lee y Lee, 1987, Glycoconjugate J., 4, 317-328, obtuvieron esta elevada especificidad a través del uso de N-acetil-D-galactosamina como el resto carbohidrato, que tiene una afinidad mayor por el receptor, en comparación con la galactosa. Este "efecto de agrupamiento" también se ha descrito para la unión y captación de glicoproteínas o glicoconjugados que terminan en manosilo (Ponpipom y col., 1981, J. Med. Chem., 24, 1388-1395). El uso de conjugados basados en galactosa, galactosamina o folato para transportar compuestos exógenos a través de membranas celulares puede proporcionar una estrategia de suministro dirigido para, por ejemplo, el tratamiento de enfermedad hepática, cánceres hepáticos u otros cánceres. El uso de bioconjugados también puede proporcionar una reducción en la dosis necesaria de los compuestos terapéuticos necesarios para el tratamiento. Además, puede modularse la biodisponibilidad terapéutica, los parámetros farmacodinámicos y farmacocinéticos a través del uso de bioconjugados de ácido nucleico de la invención. Los ejemplos no limitantes de tales bioconjugados se describen por Vargeese y col., documento USSN 10/201.394, presentado el 13 de agosto de 2001; y Matulic-Adamic y col., documento USSN 60/362.016, presentado el 6 marzo de 2002.

Como alternativa, determinadas moléculas de ANic de la presente invención pueden expresarse dentro de células a partir de promotores eucariotas (por ejemplo, Izant y Weintraub, 1985, Science, 229, 345; McGarry y Lindquist, 1986, Proc. Natl. Acad. Sci. USA 83, 399; Scanlon y col., 1991, Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 88, 10591-5; Kashani-Sabet y col., 1992, Antisense Res. Dev., 2, 3-15; Dropulic y col., 1992, J. Virol., 66, 1432-41; Weerasinghe y col., 1991, J. Virol., 65, 5531-4; Ojwang y col., 1992, Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 89, 10802-6; Chen y col., 1992, Nucleic Acids Res., 20, 4581-9; Sarver y col., 1990 Science, 247, 1222-1225; Thompson y col., 1995, Nucleic Acids Res., 23, 2259; Good y col., 1997, Gene Therapy, 4, 45. Los expertos en la materia comprenden que cualquier ácido nucleico puede expresarse en células eucariotas a partir del vector de ADN/ARN apropiado. La actividad de tales ácidos nucleicos puede aumentarse mediante su liberación a partir del transcrito primario mediante un ácido nucleico enzimático (Draper y col., PCT WO 93/23569, y Sullivan y col., PCT WO 94/02595; Ohkawa y col., 1992, Nucleic Acids Symp. Ser., 27, 15-6; Taira y col., 1991, Nucleic Acids Res., 19, 5125-30; Ventura y col., 1993, Nucleic Acids Res., 21, 3249-55; Chowrira y col., 1994, J. Biol. Chem., 269, 25856).

En otro aspecto de la invención, pueden expresarse moléculas de ARN de la presente invención a partir de unidades de transcripción (véase, por ejemplo Couture y col., 1996, TIG., 12, 510) insertadas en vectores de ADN o ARN. Los vectores recombinantes pueden ser plásmidos de ADN o vectores virales. Pueden construirse vectores virales de expresión del ANic basándose en, pero sin limitación, virus adenoasociados, retrovirus, adenovirus o alfavirus. En otra realización, se usan construcciones basadas en pol III para expresar moléculas de ácido nucleico de la invención (véase, por ejemplo Thompson, Patentes de Estados Unidos N° 5.902.880 y 6.146.886). Los vectores recombinantes capaces de expresar las moléculas de ANic pueden suministrarse como se ha descrito anteriormente y persistir en células diana. Como alternativa, pueden usarse vectores virales que proporcionen la expresión transitoria de moléculas de ácido nucleico. Tales vectores pueden administrarse repetidamente según sea necesario. Una vez expresada, la molécula de ANic interacciona con el ARNm diana y genera una respuesta de iARN. El suministro de vectores de expresión de la molécula de ANic puede ser sistémico, tal como mediante administración intravenosa o intramuscular, mediante administración a células diana explantadas de un sujeto seguida de la reintroducción en el sujeto, o mediante cualquier otro medio que permitiría la introducción en la célula diana deseada (para una revisión véase Couture y col., 1996, TIG., 12.510).

En un aspecto, la invención ofrece un vector de expresión que comprende una secuencia de ácido nucleico que codifica al menos una molécula de ANic de la presente invención. El vector de expresión puede codificar una o ambas cadenas de un dúplex de ANic o una sola cadena autocomplementaria que hibrida consigo misma en un dúplex de ANic. Las secuencias de ácido nucleico que codifican las moléculas de ANic de la presente invención pueden unirse operativamente de una manera que permita la expresión de la molécula de ANic (véase, por ejemplo Paul y col., 2002, Nature Biotechnology, 19, 505; Miyagishi y Taira, 2002, Nature Biotechnology, 19, 497; Lee y

col., 2002, Nature Biotechnology, 19, 500; y Novina y col., 2002, Nature Medicine, avance de publicación en línea doi: 10.1038/nm725).

En otro aspecto, la invención presenta un vector de expresión que comprende: a) una región de inicio de la transcripción (por ejemplo, región de inicio eucariota pol I, II o III); b) una región de terminación de la transcripción (por ejemplo, región de terminación eucariota pol I, II o III) y c) una secuencia de ácido nucleico que codifica al menos una de las moléculas de ANic de la presente invención; en el que dicha secuencia está unida operativamente a dicha región de inicio y dicha región de terminación, de una manera que permite la expresión y/o el suministro de la molécula de ANic. El vector puede incluir opcionalmente una fase de lectura abierta (ORF) para una proteína unida operativamente en el lado 5' o en el lado 3' de la secuencia que codifica el ANic de la invención; y/o un intrón (secuencias intermedias).

La transcripción de las secuencias de moléculas de ANic puede dirigirse por un promotor para ARN polimerasa I (pol I), ARN polimerasa II (pol II) o ARN polimerasa III (pol III) eucariota. Los transcritos de los promotores pol II o pol III se expresan a niveles elevados en todas las células; los niveles de un promotor pol II dado en un tipo de célula dado dependen de la naturaleza de las secuencias reguladoras de genes (potenciadores, silenciadores, etc.) presentes en las proximidades. También se usan promotores de ARN polimerasa procariota, con la condición de que la enzima ARN polimerasa procariota se exprese en las células apropiadas (Elroy-Stein y Moss, 1990, Proc. Natl. Acad. Sci. USA., 87, 6743-7; Gao y Huang 1993, Nucleic Acids Res., 21, 2867-72; Lieber y col., 1993, Methods Enzymol., 217, 47-66; Zhou y col., 1990, Mol. Cell. Biol., 10, 4529-37). Varios investigadores han demostrado que las moléculas de ácido nucleico expresadas a partir de tales promotores pueden funcionar en células de mamífero (por ejemplo, Kashani-Sabet y col., 1992, Antisense Res. Dev., 2,3-15; Ojwang y col., 1992, Proc. Natl. Acad. Sci. USA., 89, 10802-6; Chen y col., 1992, Nucleic Acids Res., 20, 4581-9; Yu y col., 1993, Pro. Natl. Acad. Sci. USA., 90, 6340-4; L'Huillier y col., 1992, EMBO J., 11, 4411-8; Lisiewicz y col., 1993, Proc. Natl. Acad. Sci. USA., 90, 8000-4; Thompson y col., 1995, Nucleic Acids Res., 23, 2259; Sullenger y Cech, 1993, Science, 262, 1566). Más específicamente, las unidades de transcripción tales como las derivadas de genes que codifican ARN nuclear pequeño U6 (ARNnp), ARN de transferencia (ARNt) y ARN VA de adenovirus son útiles para generar concentraciones elevadas de moléculas de ARN deseadas tales como ANic en células (Thompson y col., anteriormente; Couture y Stinchcomb, 1996, anteriormente; Noonberg y col., 1994, Nucleic Acid Res., 22, 2830; Noonberg y col., Patente de Estados Unidos N° 5.624.803; Good y col., 1997, Gene Ther., 4, 45; Beigelman y col., Publicación Internacional PCT N° WO 96/18736. Las unidades de transcripción de ANic anteriores pueden incorporarse en una diversidad de vectores para su introducción en células de mamífero, incluyendo, pero sin limitación, vectores de ADN plasmídico, vectores de ADN viral (tales como vectores de adenovirus o de virus adenoasociados) o vectores de ARN viral (tales como vectores retrovirales o de alfavirus) (para una revisión véase Couture y Stinchcomb, 1996, anteriormente).

En otro aspecto, la invención presenta un vector de expresión que comprende una secuencia de ácido nucleico que codifica al menos una de las moléculas de ANic de la invención de una manera que permite la expresión de esa molécula de ANic. El vector de expresión comprende en una realización; a) una región de inicio de la transcripción; b) una región de terminación de la transcripción; y c) una secuencia de ácido nucleico que codifica al menos una cadena de la molécula de ANic, en la que la secuencia está unida operativamente a la región de inicio y la región de terminación de una manera que permite la expresión y/o el suministro de la molécula de ANic.

En otra realización el vector de expresión comprende: a) una región de inicio de la transcripción; b) una región de terminación de la transcripción; c) una fase de lectura abierta; y d) una secuencia de ácido nucleico que codifica al menos una cadena de una molécula de ANic, en la que la secuencia está unida operativamente al extremo 3' de la fase de lectura abierta y en la que la secuencia está unida operativamente a la región de inicio, la fase de lectura abierta y la región de terminación de una manera que permite la expresión y/o el suministro de la molécula de ANic. En otra realización más, el vector de expresión comprende: a) una región de inicio de la transcripción; b) una región de terminación de la transcripción; c) un intrón; y d) una secuencia de ácido nucleico que codifica al menos una molécula de ANic, en la que la secuencia está unida operativamente a la región de inicio, el intrón y la región de terminación de una manera que permite la expresión y/o el suministro de la molécula de ácido nucleico.

En otra realización, el vector de expresión comprende: a) una región de inicio de la transcripción; b) una región de terminación de la transcripción; c) un intrón; d) una fase de lectura abierta; y e) una secuencia de ácido nucleico que codifica al menos una cadena de una molécula de ANic, en la que la secuencia está unida operativamente al extremo 3' de la fase de lectura abierta y en la que la secuencia está unida operativamente a la región de inicio, el intrón, la fase de lectura abierta y la región de terminación de una manera que permite la expresión y/o el suministro de la molécula de ANic.

Ejemplos:

Los siguientes son ejemplos no limitantes que muestran la selección, aislamiento, síntesis y actividad de ácidos

nucleicos de la presente invención.

Ejemplo 1: Síntesis en tándem de construcciones de ANic

Las moléculas de ANic ilustrativas de la invención se sintetizan en tándem usando un engarce escindible, por ejemplo, un engarce basado en succinilo. La síntesis en tándem como se ha descrito en el presente documento viene seguida de un proceso de purificación de una etapa que proporciona moléculas de iARN en alto rendimiento. Esta estrategia es muy asequible para la síntesis de ANic para respaldar la exploración de iARN de alto rendimiento y puede adaptarse fácilmente a plataformas de síntesis multicolumna o multipocillo.

Después de completar una síntesis en tándem de un oligo de ANic y su complementario, en el que el grupo dimetoxitrilo 5'-terminal (5'-O-DMT) permanece intacto (síntesis sobre tritilo), los oligonucleótidos se desprotegen como se ha descrito anteriormente. Después de la desprotección, se permite que las cadenas de secuencia de ANic hibriden espontáneamente. Esta hibridación produce un dúplex en el que una cadena ha conservado el grupo 5'-O-DMT mientras que la cadena complementaria comprende un 5'-hidroxilo terminal. El dúplex recién formado se comporta como una molécula única durante la purificación por extracción en fase sólida de rutina (purificación sobre Tritilo) aunque sólo una molécula tiene un grupo dimetoxitrilo. Debido a que las cadenas forman un dúplex estable, este grupo dimetoxitrilo (o un grupo equivalente, tal como otros grupos tritilo u otros restos hidrófobos) es todo lo que se necesita para purificar el par de oligos, por ejemplo, usando un cartucho C18.

Se usa química de síntesis de fosforamidita convencional hasta el punto de introducir un engarce en tándem, tal como un engarce de succinato abásico desoxi invertido o succinato de glicerilo (véase la **Figura 1**) o un engarce escindible equivalente. Un ejemplo no limitante de condiciones de acoplamiento de engarce que pueden usarse incluye una base impedida estéricamente, tal como diisopropiletilamina (DIPA) y/o DMPA en presencia de un reactivo activador tal como Bromotripirrolidinofosfoniohexafluorurofosfato (PyBrOP). Después de que se acople el engarce, se utiliza química de síntesis convencional para completar la síntesis de la segunda secuencia dejando el 5'-O-DMT terminal intacto. Después de la síntesis, el oligonucleótido resultante se desprotege de acuerdo con los procedimientos descritos en el presente documento y se inactiva con un tampón adecuado, por ejemplo con NaOAc 50 mM o $\text{NH}_4\text{H}_2\text{CO}_3$ 1,5 M.

La purificación del dúplex de ANic puede conseguirse fácilmente usando extracción en fase sólida, por ejemplo usando un cartucho de 1 g Waters C18 SepPak acondicionado con 1 volumen de columna (VC) de acetonitrilo, 2 VC de H_2O y 2 VC de NaOAc 50mM. La muestra se carga y después se lava con 1 VC de H_2O o NaOAc 50mM. Las secuencias fallidas se eluyen con 1 VC de ACN al 14% (solución acuosa con NaOAc 50 mM y NaCl 50 mM). Después, la columna se lava, por ejemplo con 1 VC de H_2O , seguido por detritilación en columna, por ejemplo pasando 1 VC de ácido trifluoroacético acuoso (TFA) al 1% sobre la columna, añadiendo después un segundo VC de TFA acuoso al 1% a la columna y dejándolo en reposo durante aproximadamente 10 minutos. La solución de TFA restante se retira y la columna se lava con H_2O seguido por 1 VC de NaCl 1 M y H_2O adicional. Después, el producto de dúplex de ANic se eluye, por ejemplo, usando 1 VC de CAN acuoso al 20%.

La **Figura 2** proporciona un ejemplo de análisis de espectrometría de masas de MALDI-TOV de una construcción de ANic purificada en la que cada pico corresponde a la masa calculada de una cadena de ANic individual del dúplex de ANic. El mismo ANic purificado proporciona tres picos cuando se analiza mediante electroforesis capilar en gel (CGE), correspondiendo supuestamente un pico al ANic de dúplex, y correspondiendo supuestamente dos picos a las cadenas de secuencia de ANic separadas. El análisis de HPLC de intercambio iónico de la misma construcción de ANic muestra únicamente un solo pico. El ensayo de la construcción de ANic purificada usando un ensayo indicador de luciferasa descrito más adelante demostró la misma actividad de iARN en comparación con construcciones de ANic generadas a partir de cadenas de secuencia de oligonucleótidos sintetizados por separado.

Ejemplo 2: Estabilidad en suero de construcciones de ANic modificadas químicamente

En construcciones de ANic se introdujeron modificaciones químicas para determinar la estabilidad de estas construcciones en comparación con oligonucleótidos de ANic nativos (que contienen dos salientes de nucleótidos de timidina) en suero humano. Una investigación de la estabilidad en suero de los dúplex de ARN reveló que las construcciones de ANic consistentes en todos los nucleótidos de ARN, que contienen dos salientes de nucleótidos de timidina, tienen una semivida en suero de 15 segundos, mientras que las construcciones de ANic modificadas químicamente permanecen estables en suero durante 1 a 3 días dependiendo del grado de modificación. Se realizaron ensayos de estabilidad de la iARN marcando internamente una cadena (cadena 1) de ANic y formando dúplex con 1,5 X la concentración de la cadena de ANic complementaria (cadena 2) (para asegurar que todo el material marcado estaba en forma de dúplex). Las construcciones de ANic en forma de dúplex se ensayaron después para determinar la estabilidad incubando a una concentración final de 2 μM de ANic (concentración de las 2 cadenas) en suero de ratón o humano al 90% durante los puntos temporales de 30 s, 1 min, 5 min, 30 min, 90 min, 4 h 10 min, 16 h 24 min y 49 h. Los puntos temporales se procesaron en geles de poliácridamida desnaturizantes al 15% y se analizaron en un Phosphorimager.

El marcaje interno se realizó mediante reacciones quinasa con polinucleótido quinasa (PNK) y ^{32}P - γ -ATP, con adición de fosfato radiomarcado en el nucleótido 13 de la cadena 2, contando desde el lado 3'. El ligamiento de los fragmentos de 8 unidades restantes con ARN ligasa de T4 dio como resultado la cadena 2 de longitud completa de 21 unidades. La formación de dúplex de iARN se realizó añadiendo concentraciones apropiadas de los oligonucleótidos de ANic y calentando a 95°C durante 5 min seguido de un lento enfriamiento a temperatura ambiente. Las reacciones se realizaron añadiendo suero al 100% a los dúplex de ANic e incubando a 37°C, y después retirando alícuotas a los puntos temporales deseados. Los resultados de este estudio se resumen en la **Figura 3**. Como se muestra en la Figura 3, las moléculas de ANic modificadas químicamente (por ejemplo, las SEC ID N°: 925/927, 925/928, 925/929, 925/930 y 925/931) tienen una estabilidad en suero significativamente aumentada en comparación con una construcción de ANic que tiene todo ribonucleótidos excepto una modificación ditimidina (TT) 3'-terminal (por ejemplo, SEC ID N°: 925/926).

Ejemplo 3: Identificación de posibles sitios diana del ANic en cualquier secuencia de ARN

Se exploró la secuencia de una diana de ARN de interés, tal como un transcrito de ARNm viral o humano, para detectar sitios diana, por ejemplo usando un algoritmo de plegamiento informatizado. En un ejemplo no limitante, se usa la secuencia de un gen o un transcrito de un gen de ARN derivado de una base de datos, tal como Genbank, para generar dianas de ANic que tienen complementariedad con la diana. Dichas secuencias pueden obtenerse a partir de una base de datos o pueden determinarse experimentalmente como se conoce en la técnica. Los sitios diana que se conocen, por ejemplo, los sitios diana que se ha determinado que son eficaces basándose en estudios con otras moléculas de ácido nucleico, por ejemplo, ribozimas o antisentido, o las dianas que se sabe que están asociadas con una enfermedad o afección tal como los sitios que contienen mutaciones o deleciones, pueden usarse para diseñar moléculas de ANic que se dirijan a esos sitios. Pueden usarse varios parámetros para determinar qué sitios son los sitios diana más adecuados dentro de la secuencia de ARN diana. Esos parámetros incluyen, pero sin limitación, la estructura secundaria o terciaria del ARN, la composición de las bases de nucleótidos de la secuencia diana, el grado de homología entre diversas regiones de la secuencia diana o la posición relativa de la secuencia diana dentro del transcrito de ARN. Basándose en estas determinaciones, puede seleccionarse cualquier número de sitios diana dentro del transcrito de ARN para explorar moléculas de ANic para determinar su eficacia, por ejemplo, usando ensayos de escisión de ARN *in vitro*, cultivos de células o modelos animales. En un ejemplo no limitante, dentro del transcrito se seleccionan cualquiera de 1 a 1000 sitios diana basándose en el tamaño de la construcción de ANic a usar. Usando procedimientos conocidos en la técnica, pueden desarrollarse ensayos de exploración de alto rendimiento para explorar moléculas de ANic, tales como ensayos multipocillo o multiplica o ensayos de exploración de bibliotecas combinatorias/ANic para determinar la reducción eficaz en la expresión del gen diana.

Ejemplo 4: Selección de sitios diana para la molécula de ANic en un ARN

Para realizar la selección de ANic que se dirigen a una secuencia génica o transcrito dado pueden usarse las siguientes etapas no limitantes.

La secuencia diana se descompone mediante simulación por ordenador en una lista de todos los fragmentos o subsecuencias de una longitud particular, por ejemplo, fragmentos de 23 nucleótidos, incluidos en la secuencia diana. Esta etapa se realiza típicamente usando un lenguaje de programación Perl habitual, aunque también pueden emplearse programas de análisis de secuencia comerciales tales como Oligo, MacVector o el Paquete Informático GCG de Wisconsin.

En algunos casos, los ANic corresponden a más de una secuencia diana; como sería el caso, por ejemplo, de la dirección a diferentes transcritos del mismo gen, la dirección a diferentes transcritos de más de un gen o la dirección tanto a los genes humanos como a un homólogo animal. En este caso, se genera una lista de subsecuencias de una longitud particular para cada una de las dianas y después las listas se comparan para encontrar las secuencias coincidentes en cada lista. Después, las subsecuencias se clasifican de acuerdo con el número de secuencias diana que contienen la subsecuencia determinada; el objetivo es encontrar subsecuencias que estén presentes en la mayoría o en todas las secuencias diana. Como alternativa, la clasificación puede identificar subsecuencias que sean únicas para una secuencia diana, tal como una secuencia diana mutante. Dicho enfoque permitiría el uso de un ANic para dirigirse específicamente a la secuencia mutante y no efectuar la expresión de la secuencia normal.

En algunos casos, las subsecuencias de ANic están ausentes en una o más secuencias aunque están presentes en la secuencia diana deseada; éste sería el caso cuando el ANic se dirige a un gen con un miembro de la familia parálogo que no debe ser diana. Como en el caso 2 anterior, se genera una lista de subsecuencias de una longitud particular para cada una de las dianas, y después las listas se comparan para encontrar secuencias que están presentes en el gen diana pero ausentes en el parálogo no diana.

Las subsecuencias de ANic clasificadas pueden analizarse y clasificarse adicionalmente de acuerdo con el contenido en GC. Puede proporcionarse una preferencia para sitios que contienen el 30-70% de GC, con una preferencia adicional para sitios que contienen el 40-60% de GC.

Las subsecuencias de ANic clasificadas pueden analizarse y clasificarse adicionalmente de acuerdo con el autoplegamiento y horquillas internas. Se prefieren los plegamientos internos más débiles; deben evitarse estructuras en horquilla fuertes.

5 Las subsecuencias de ANic clasificadas pueden analizarse y clasificarse adicionalmente según tengan series de GGG o CCC en la secuencia. GGG (o incluso más G) en cualquier cadena puede hacer problemática la síntesis de oligonucleótidos y potencialmente puede interferir con la actividad de la iARN, de manera que se evita siempre que se disponga de otras secuencias apropiadamente adecuadas. En la cadena diana se busca CCC porque esto situará a GGG en la cadena antisentido.

10 Las subsecuencias de ANic clasificadas pueden analizarse y clasificarse adicionalmente de acuerdo con si tienen el dinucleótido UU (dinucleótido de uridina) en el extremo 3' de la secuencia y/o AA en el extremo 5' de la secuencia (para proporcionar UU en 3' en la secuencia antisentido). Estas secuencias permiten el diseño de moléculas de ANic con dinucleótidos de timidina TT terminales.

15 De la lista de subsecuencias clasificada, como se ha descrito anteriormente, se seleccionan cuatro o cinco sitios diana. Por ejemplo, en subsecuencias que tienen 23 nucleótidos, los 21 nucleótidos a la derecha de cada subsecuencia de 23 unidades seleccionada se diseñan y sintetizan para la cadena superior (con sentido) del dúplex de ANic, mientras que el complementario inverso de los 21 nucleótidos a la izquierda de cada subsecuencia de 23 unidades seleccionada se diseña y se sintetiza para la cadena inferior (antisentido) del dúplex de ANic (véase la Tabla I). Si para la secuencia se desean restos TT terminales (como se describe en el párrafo 7), entonces los dos nucleótidos 3'-terminales de las cadenas con sentido y antisentido se sustituyen por TT antes de realizar la síntesis de los oligonucleótidos.

20 Las moléculas de ANic se exploran en un cultivo celular *in vitro* o en un sistema de modelo animal para identificar la molécula de ANic más activa o el sitio diana más preferido dentro de la secuencia de ARN diana.

25 En un enfoque alternativo, se usa un conjunto de construcciones de ANic específico para una secuencia diana para explorar sitios diana en células que expresan ARN diana, tales como células HeLa humanas. En la **Figura 21** se muestra la estrategia general usada en este enfoque. Un ejemplo no limitante de dicho conjunto es un conjunto que comprende secuencias que tienen secuencias antisentido complementarias a la secuencia de ARN diana y secuencias con sentido complementarias a las secuencias antisentido. Las células (por ejemplo, células HeLa) que expresan el gen diana se transfectan con el conjunto de construcciones de ANic y se clasifican las células que demuestran un fenotipo asociado con silenciamiento génico. El conjunto de construcciones de ANic puede modificarse químicamente como se ha descrito en el presente documento y sintetizarse, por ejemplo, en un modo de alto rendimiento. Se identifica el ANic de células que demuestran un cambio fenotípico positivo (por ejemplo, niveles de ARNm diana o expresión de la proteína diana reducidos), por ejemplo por análisis posicional dentro del ensayo, y se usa para determinar el sitio (o los sitios) diana más adecuado dentro de la secuencia de ARN diana basándose en la secuencia complementaria a la cadena antisentido de ANic correspondiente identificada en el ensayo.

Ejemplo 5: Actividad de la iARN de construcciones de ANic modificadas químicamente

35 El ácido nucleico de interferencia corto (ANic) está surgiendo como una poderosa herramienta para la regulación génica. Los dúplex de ANic constituidos totalmente por ribosa activan la ruta de la iARN pero tienen utilidad limitada como compuestos terapéuticos debido a su sensibilidad a nucleasa y a la corta semivida en suero, como se muestra en el Ejemplo 2 anterior. Para desarrollar construcciones de ANic resistentes a nucleasa para aplicaciones *in vivo*, se ensayaron los ANic que se dirigen al ARNm de luciferasa y que contienen modificaciones químicas estabilizantes para determinar la actividad en células HeLa. En la **Tabla I** se muestran las secuencias para las secuencias de oligonucleótidos de ANic usadas en este estudio. Las modificaciones incluían enlaces fosforotioato (P=S), 2'-O-metil nucleótidos o 2'-fluoro (F) nucleótidos en una o en las dos cadenas de ANic y diversas químicas de estabilización en el extremo 3', que incluyen 3'-glicerilo, abásico 3'-invertido, Timidina 3'-invertida y/o Timidina. El ANic activo que contiene modificaciones estabilizantes tales como las descritas en el presente documento debe resultar útil para aplicaciones *in vivo*.

45 Se utilizó un sistema indicador de luciferasa para ensayar la actividad de la iARN de las construcciones de ANic modificadas químicamente en comparación con construcciones de ANic constituidas por nucleótidos totalmente de ARN que contienen dos salientes de nucleótidos de timidina. Las cadenas con sentido y antisentido del ANic (20 uM de cada una) se hibridaron por incubación en tampón (acetato de potasio 100 mM, HEPES-KOH 30 mM, pH 7,4, acetato de magnesio 2 mM) durante 1 min a 90°C seguido de 1 hora a 37°C. Los plásmidos que codifican la luciferasa de luciérnaga (pGL2) y la luciferasa de renilla (pRLSV40) se adquirieron en Promega Biotech.

50 Se cultivaron células S3 HeLa a 37°C en DMEM con FBS al 5% y 24 horas antes de la transfección se sembraron 15.300 células en 100 ul de medio por pocillo de una placa de 96 pocillos. Para la transfección, se añadieron 4 ul de Lipofectamina 2000 (Life Technologies) a 96 ul de OPTI-MEM, se sometió a agitación vortical y se incubó a temperatura ambiente durante 5 minutos. Después, se añadieron 100 ul de lípido diluido a un tubo de microtitulación que contenía 5 ul de pGL2 (200 ng/ul), 5 ul de pRLSV40 (8 ng/ul), 6 ul de ANic (25 nM o 10 nM final) y 84 ul de OPTI-MEM, la mezcla se

sometió brevemente a agitación vorticial y se incubó a temperatura ambiente durante 20 minutos. La mezcla de transfección se mezcló después brevemente y se añadieron 50 μ l a cada uno de tres pocillos que contenían células S3 HeLa en 100 μ l de medio. Las células se incubaron durante 20 horas después de la transfección y se analizaron para determinar la expresión de luciferasa usando el ensayo de luciferasa Doble de acuerdo con las instrucciones del fabricante (Promega Biotech). Los resultados de este estudio se resumen en las **Figuras 4-16**. Las secuencias de las cadenas de ANic usadas en este estudio se muestran en la Tabla I y en las figuras se indican por N° RPI. La actividad luciferasa normalizada se indica como la proporción de la actividad luciferasa de luciérnaga con respecto a la actividad de luciferasa de renilla en la misma muestra. Las barras de error representan desviaciones típicas de transfecciones por triplicado. Como se muestra en las **Figuras 4-16**, la actividad de la iARN de las construcciones modificadas químicamente es comparable con la de las construcciones de ANic de control, que consisten por completo en ribonucleótidos en cada posición excepto el extremo 3' que comprende dos salientes de nucleótidos de timidina. En algunos casos, la actividad de la iARN de las construcciones modificadas químicamente es superior a la construcción de ANic que consiste por completo en ribonucleótidos en cada posición excepto el extremo 3' que comprende dos salientes de nucleótidos de timidina. Por ejemplo, la **Figura 4** muestra los resultados obtenidos de una exploración usando construcciones de ANic modificadas con fosforotioato; la construcción RPI 27654/27659 contiene sustituciones de fosforotioato para cada nucleótido de pirimidina en ambas secuencias, la construcción RPI 27657/27662 contiene sustituciones de 3'-fosforotioato 5'-terminales en cada cadena, la construcción RPI 27649/27658 contiene todas las sustituciones de fosforotioato solamente en la cadena antisentido, mientras que las construcciones RPI 27649/27660 y RPI 27649/27661 tienen cadenas con sentido no modificadas y grados de sustituciones de fosforotioato variables en la cadena antisentido. Todas estas construcciones muestran una actividad de iARN significativa cuando se comparan con un ANic desorganizado.

La **Figura 5** muestra los resultados obtenidos de una exploración usando sustituciones con fosforotioato (RPI 28253/28255 y RPI 28254/28256) y sustituciones de bases universales (RPI 28257/28259 y RPI 28258/28260) en comparación con los mismos controles descritos anteriormente. Como se muestra, estas combinaciones muestran una actividad de iARN equivalente o mejorada cuando se compara con la construcción de ANic de control.

La **Figura 6** muestra los resultados obtenidos de una exploración usando construcciones de ANic modificadas con 2'-O-metilo en las que la cadena con sentido contiene 10 (RPI 28244/27650) o 5 (RPI 28245/27650) sustituciones 2'-O-metilo, ambas con actividad comparable con la construcción de ANic de control.

La **Figura 7** muestra los resultados obtenidos de una exploración usando construcciones de ANic modificadas con 2'-O-metilo o 2'-desoxi-2'-fluoro en comparación con una construcción de control que consiste completamente en ribonucleótidos en cada posición excepto en el extremo 3' que comprende dos salientes de nucleótidos de timidina.

La **Figura 8** compara una construcción de ANic que contiene seis sustituciones de fosforotioato en cada cadena (RPI 28460/28461), en la que 5 fosforotioatos están presentes en el extremo 3' y un solo fosforotioato está presente en el extremo 5' de cada cadena. Este motivo muestra una actividad muy similar con respecto a la construcción de ANic de control que consiste completamente en ribonucleótidos en cada posición excepto en el extremo 3', que comprende dos salientes de nucleótidos de timidina.

La **Figura 9** compara una construcción de ANic sintetizada por el procedimiento de la invención descrito en el Ejemplo 1, en el que se usó un engarce de succinato abásico desoxi invertido para generar un ANic que tiene una protección abásica desoxi invertida 3' en la cadena antisentido del ANic. Esta construcción muestra actividad mejorada en comparación con la construcción de ANic de control (siGL2) que consiste totalmente en ribonucleótidos en cada posición excepto en el extremo 3' que comprende dos salientes de nucleótidos de timidina.

La **Figura 10** muestra los resultados de una exploración de la actividad de la iARN de construcciones de ANic modificadas químicamente que incluyen construcciones de ANic modificadas con 3'-glicerilo en comparación con una construcción de ANic de control toda de ARN usando un sistema indicador de luciferasa. Estos ANic modificados químicamente se compararon en el ensayo de luciferasa descrito en el presente documento a una concentración de 1 nM y 10 nM usando un control de ANic todo de ARN (siGL2) que tenía ditimidina (TT) 3'-terminal y su correspondiente control invertido (Inv siGL2). La columna "células" indica el nivel de fondo de la expresión de luciferasa en las células HeLa. Las cadenas con sentido y antisentido de las construcciones de ANic modificadas químicamente se muestran mediante el número RPI (cadena con sentido/cadena antisentido). Las secuencias correspondientes a estos números RPI se muestran en la Tabla I. Como se muestra en la Figura, las construcciones de ANic modificadas en posición 3'-terminal conservan una actividad de iARN significativa en comparación con la construcción de ANic de control (siGL2).

La **Figura 11** muestra los resultados de una exploración de la actividad de iARN de construcciones de ANic modificadas químicamente. La exploración comparaba diversas combinaciones de modificaciones químicas de la cadena con sentido y modificaciones químicas de la cadena antisentido. Estos ANic modificados químicamente se compararon en el ensayo de luciferasa descrito en el presente documento a una concentración de 1 nM y 10 nM usando un control de ANic todo de ARN (siGL2) que tiene ditimidina (TT) 3'-terminal (TT) y su correspondiente control invertido (Inv siGL2). La columna "células" indica el nivel de fondo de la expresión de luciferasa en las células HeLa. Las cadenas con sentido y antisentido

de las construcciones de ANic modificadas químicamente se muestran mediante el número RPI (cadena con sentido/cadena antisentido). Las secuencias correspondientes a estos números RPI se muestran en la Tabla I. Como se muestra en la figura, las construcciones RPI 30063/30430, RPI 30433/30430 y RPI 30063/30224 modificadas químicamente conservan una actividad de iARN significativa en comparación con la construcción de ANic de control. Debe observarse que la RPI 30433/30430 es una construcción de ANic que no tiene ribonucleótidos que conserva una actividad de iARN significativa en comparación con la construcción siGL2 de control *in vitro*, por lo tanto, se espera que esta construcción tenga una actividad de iARN similar y una estabilidad mejorada en comparación con las construcciones de ANic que tienen ribonucleótidos *in vivo*.

La **Figura 12** muestra los resultados de una exploración de la actividad de iARN de construcciones de ANic modificadas químicamente. La exploración compara diversas combinaciones de modificaciones químicas de la cadena con sentido y modificaciones químicas de la cadena antisentido. Estos ANic modificados químicamente se compararon en el ensayo de luciferasa descrito en el presente documento a una concentración de 1 nM y 10 nM usando un control de ANic todo de ARN (siGL2) que tiene ditimidina (TT) 3'-terminal y su correspondiente control invertido (Inv siGL2). La columna "células" indica el nivel de fondo de la expresión de luciferasa en las células HeLa. Las cadenas con sentido y antisentido de las construcciones de ANic modificadas químicamente se muestran mediante el número RPI (cadena con sentido/cadena antisentido). Las secuencias correspondientes a estos números RPI se muestran en la Tabla I. Como se muestra en la figura, las construcciones RPI 30063/30224 y RPI 30063/30430 modificadas químicamente conservan una actividad de iARN significativa en comparación con la construcción de ANic de control (siGL2). Además, se compararon la cadena antisentido en solitario (RPI 30430) y un control invertido (RPI 30227/30229, que tiene la misma química que el RPI 30063/30224) con los dúplex de ANic descritos anteriormente. La cadena antisentido (RPI 30430) en solitario proporciona mucha menos inhibición en comparación con los dúplex de ANic usando esta secuencia.

La **Figura 13** muestra los resultados de una exploración de la actividad de iARN de construcciones de ANic modificadas químicamente. La exploración comparó diversas combinaciones de modificaciones químicas de la cadena con sentido y modificaciones químicas de la cadena antisentido. Estos ANic modificados químicamente se compararon en el ensayo de luciferasa descrito en el presente documento a una concentración de 1 nM y 10 nM usando un control de ANic todo de ARN (siGL2) que tiene ditimidina (TT) 3'-terminal y su correspondiente control invertido (Inv siGL2). La columna "células" indica el nivel de fondo de la expresión de luciferasa en las células HeLa. Las cadenas con sentido y antisentido de las construcciones de ANic modificadas químicamente se muestran mediante el número RPI (cadena con sentido/cadena antisentido). Las secuencias correspondientes a estos números RPI se muestran en la Tabla I. Además, se comparó un control invertido (RPI 30226/30229, que tenía la misma química que el RPI 30222/30224) con los dúplex de ANic descritos anteriormente. Como se muestra en la figura, las construcciones RPI 28251/30430, RPI 28251/30224 y RPI 30222/30224 modificadas químicamente conservan una actividad de iARN significativa en comparación con las construcciones de ANic de control, y la construcción RPI 28251/30430 modificada químicamente demuestra una actividad mejorada en comparación con la construcción de ANic de control (siGL2).

La **Figura 14** muestra los resultados de una exploración de la actividad de la iARN de construcciones de ANic modificadas químicamente que incluyen diversas construcciones de ANic modificadas en posición 3'-terminal en comparación con una construcción de ANic de control toda de ARN usando un sistema indicador de luciferasa. Estos ANic modificados químicamente se compararon en el ensayo de luciferasa descrito en el presente documento a una concentración de 1 nM y 10 nM usando un control de ANic todo de ARN (siGL2) que tiene ditimidina (TT) 3'-terminal y su correspondiente control invertido (Inv siGL2). La columna "células" indica el nivel de fondo de la expresión de luciferasa en las células HeLa. Las cadenas con sentido y antisentido de las construcciones de ANic modificadas químicamente se muestran mediante el número RPI (cadena con sentido/cadena antisentido). Las secuencias correspondientes a estos números RPI se muestran en la Tabla I. Como se muestra en la figura, las construcciones RPI 30222/30546, 30222/30224, 30222/30551, 30222/30557 y 30222/30558 modificadas químicamente conservan una actividad de iARN significativa en comparación con la construcción de ANic de control.

La **Figura 15** muestra los resultados de una exploración de la actividad de iARN de construcciones de ANic modificadas químicamente. La exploración comparó diversas combinaciones de químicas de cadena con sentido en comparación con una química de cadena antisentido fijada. Estos ANic modificados químicamente se compararon en el ensayo de luciferasa descrito en el presente documento a una concentración de 1 nM y 10 nM usando un control de ANic todo de ARN (siGL2) que tiene ditimidina (TT) 3'-terminal y su correspondiente control invertido (Inv siGL2). La columna "células" indica el nivel de fondo de la expresión de luciferasa en las células HeLa. Las cadenas con sentido y antisentido de las construcciones de ANic modificadas químicamente se muestran por el número RPI (cadena con sentido/cadena antisentido). Las secuencias correspondientes a estos números RPI se muestran en la Tabla I. Como se muestra en la figura, todas las construcciones RPI 30063/30430, 30434/30430 y 30435/30430 modificadas químicamente demuestran una mayor actividad en comparación con la construcción de ANic de control (siGL2).

Ejemplo 6: Titulación de la actividad de iARN

Se realizó un ensayo de titulación para determinar el intervalo inferior de la concentración de ANic necesaria para la actividad de iARN en una construcción de ANic de control que consiste en nucleótidos de ARN por completo que contiene dos salientes del nucleótido timidina y una construcción de ANic modificada químicamente que comprende 5 enlaces fosforotioato internucleotídicos tanto en la cadena con sentido como en la antisentido. El ensayo se realizó como se ha descrito anteriormente, sin embargo, las construcciones de ANic se diluyeron a concentraciones finales de entre 2,5 nM y 0,025 nM. Los resultados se muestran en la **Figura 16**. Como se muestra en la **Figura 16**, la construcción de ANic modificada químicamente muestra un perfil de la actividad de iARN dependiente de la concentración muy similar al de la construcción de ANic de control cuando se comparó con un control de secuencia de ANic invertida.

Ejemplo 7: Diseño del ANic

Se seleccionaron sitios diana del ANic analizando secuencias del ARN diana y priorizando opcionalmente los sitios diana basándose en el plegamiento (estructura de cualquier secuencia determinada analizada para determinar la accesibilidad del ANic a la diana), usando una biblioteca de moléculas de ANic como se describe en el Ejemplo 4 o, de manera alternativa, usando un sistema de ANic *in vitro* como se describe en el Ejemplo 9 en el presente documento. Se diseñaron moléculas de ANic que pudieran unirse a cada diana y se analizaron de manera opcional individualmente por plegamiento informatizado para evaluar si la molécula de ANic podía interactuar con la secuencia diana. Para optimizar la actividad, puede seleccionarse la variación de la longitud de las moléculas de ANic. Generalmente, se selecciona una cantidad suficiente de bases de nucleótidos complementarias para unirse a, o interactuar de otra manera con, el ARN diana, pero el grado de complementariedad puede modularse para acomodar dúplex de ANic o longitudes o composiciones de bases variables. Usando dichas metodologías, pueden diseñarse moléculas de ANic para sitios diana dentro de cualquier secuencia de ARN conocida, por ejemplo las secuencias de ARN correspondientes a cualquier transcrito génico.

Se diseñan construcciones de ANic modificadas químicamente para proporcionar estabilidad frente a nucleasas para la administración sistémica *in vivo* y/o propiedades farmacocinéticas, de localización y suministro mejoradas conservando al mismo tiempo la capacidad de mediar la actividad de iARN. Las modificaciones químicas como se describe en el presente documento se introducen sintéticamente usando procedimientos sintéticos descritos en el presente documento y los conocidos generalmente en la técnica. Después, las construcciones de ANic sintéticas se ensayan para determinar la estabilidad frente a nucleasas en suero y/o en extractos celulares/tisulares (por ejemplo, extractos de hígado). Las construcciones de ANic sintéticas también se ensayan en paralelo para determinar la actividad de iARN usando un ensayo apropiado, tal como un ensayo indicador de luciferasa como se describe en el presente documento u otro ensayo adecuado que pueda cuantificar la actividad de iARN. Las construcciones de ANic sintéticas que poseen estabilidad a nucleasa y actividad de iARN pueden modificarse adicionalmente y volverse a evaluar en ensayos de estabilidad y actividad. Después, las modificaciones químicas de las construcciones de ANic activas estabilizadas pueden aplicarse a cualquier secuencia de ANic que se dirija a cualquier ARN seleccionado y usarse, por ejemplo, en ensayos de exploración de dianas para escoger compuestos de ANic líderes para el desarrollo terapéutico (véase, por ejemplo, la **Figura 24**).

Ejemplo 8: Síntesis Química y Purificación de ANic

Pueden diseñarse moléculas de ANic para interactuar con diversos sitios en el ARN mensajero, por ejemplo, secuencias diana dentro de las secuencias de ARN descritas en el presente documento. La secuencia de una cadena de la molécula (o moléculas) de ANic es complementaria a las secuencias del sitio diana descritas anteriormente. Las moléculas de ANic pueden sintetizarse químicamente usando procedimientos descritos en el presente documento. Pueden sintetizarse moléculas de ANic inactivas que se usan como secuencias de control desorganizand la secuencia de las moléculas de ANic de tal manera que no sea complementaria a la secuencia diana. Generalmente, pueden sintetizarse construcciones de ANic usando procedimientos de síntesis de oligonucleótidos en fase sólida como se describe en el presente documento (véase por ejemplo Usman y col., Patentes de Estados Unidos N° 5.804.683; 5.831.071; 5.998.203; 6.117.657; 6.353.098; 6.362.323; 6.437.117; 6.469.158; Scaringe y col., Patentes de Estados Unidos N° 6.111.086; 6.008.400; 6.111.086 todos ellos incorporados por referencia en el presente documento en su totalidad).

En un ejemplo no limitante, los oligonucleótidos de ARN se sintetizan por etapas usando la química de fosforamidita como se conoce en la técnica. La química convencional de fosforamidita implica el uso de nucleósidos que comprenden cualquiera de los grupos 5'-O-dimetoxitritilo, 2'-O-terc-butildimetilsililo, 3'-O-2-cianoetil N,N-diisopropilfosforamidita y grupos de protección de amina exocíclicos (por ejemplo N6-benzoil adenosina, N4 acetil citidina y N2-isobutiril guanosina). De manera alternativa, pueden usarse éteres de 2'-O-sililo junto con grupos de protección 2'-O-ortoéster lábil a ácidos en la síntesis del ARN como describe Scaringe, citado anteriormente. Diferentes químicas 2' pueden requerir diferentes grupos de protección, por ejemplo los nucleósidos 2'-desoxi-2'-amino pueden utilizar la protección con N-ftaloílo como describen Usman y col., en la Patente de Estados Unidos 5.631.360 incorporada por referencia en el presente documento en su totalidad).

Durante la síntesis en fase sólida, cada nucleótido se añade secuencialmente (en dirección 3' a 5') al

oligonucleótido unido al soporte sólido. El primer nucleósido en el extremo 3' de la cadena se une covalentemente a un soporte sólido (por ejemplo, vidrio o poliestireno de tamaño de poro controlado) usando diversos engarces. Se combinan el precursor del nucleótido, una fosforamidita de ribonucleósido y un activador dando como resultado el acoplamiento de la segunda fosforamidita de nucleósido sobre el extremo 5' del primer nucleósido. Después, el soporte se lava y todos los grupos 5'-hidroxilo que no han reaccionado se protegen con un reactivo de protección tal como anhídrido acético para proporcionar restos 5'-acetilo inactivos. Después, el enlace fosforoso trivalente se oxida para proporcionar un enlace fosfato más estable. Al final del ciclo de adición de nucleótidos, el grupo de protección 5'-O se escinde en condiciones adecuadas (por ejemplo, condiciones ácidas para grupos basados en tritilo y fluoruro para grupos basados en sililo). El ciclo se repite para cada nucleótido posterior.

La modificación de las condiciones de síntesis puede usarse para optimizar la eficacia de acoplamiento usando, por ejemplo, diferentes tiempos de acoplamiento, diferentes concentraciones de reactivo/fosforamidita, diferentes tiempos de contacto, diferentes soportes sólidos y químicas de engarces de soporte sólido dependiendo de la composición química particular del ANic a sintetizar. La desprotección y purificación del ANic puede realizarse como describen generalmente Usman y col., en los documentos US 5.831.071, US 6.353.098, US 6.437.117, y Bellon y col., en los documentos US 6.054.576, US 6.162.909, US 6.303.773, incorporados por referencia en el presente documento en su totalidad o Scaringe citado anteriormente. Adicionalmente, las condiciones de desprotección pueden modificarse para proporcionar el mejor rendimiento y pureza posibles de las construcciones de ANic. Por ejemplo, el solicitante ha observado que los oligonucleótidos que comprenden 2'-desoxi-2'-fluoro nucleótidos pueden degradarse en condiciones de desprotección inadecuadas. Dichos oligonucleótidos se desprotegen usando metilamina acuosa a aproximadamente 35°C durante 30 minutos. Si el oligonucleótido que contiene 2'-desoxi-2'-fluoro también comprende ribonucleótidos, después de la desprotección con metilamina acuosa a aproximadamente 35°C durante 30 minutos, se añade TEA-HF y la reacción se mantiene a aproximadamente 65°C durante 15 minutos adicionales.

Ejemplo 9: Ensayo *in vitro* de la iARN para evaluar la actividad del ANic

Se usó un ensayo *in vitro* que resume la iARN en un sistema acelular para evaluar las construcciones de ANic específicas para el ARN diana. El ensayo comprende el sistema descrito por Tuschl y col., 1999, Genes and Development, 13, 3191-3197 y Zamore y col., 2000, Cell, 101, 25-33 adaptado para su uso con ARN diana. Se usó un extracto de *Drosophila* derivado de blastodermo sincitial para reconstituir la actividad de la iARN *in vitro*. El ARN diana se generó mediante transcripción *in vitro* a partir de un plásmido apropiado usando ARN polimerasa de T7 o mediante síntesis química como se describe en el presente documento. Las cadenas de ANic con sentido y antisentido (cada una, por ejemplo, a 20 uM) se hibridaron por incubación en tampón (tal como acetato de potasio 100 mM, HEPES-KOH 30 mM, pH 7,4, acetato de magnesio 2 mM) durante 1 minuto a 90°C seguido de 1 hora a 37°C, y después se diluyeron en tampón de lisis (por ejemplo acetato de potasio 100 mM, HEPES-KOH 30 mM a pH 7,4, acetato de magnesio 2 mM). La hibridación puede controlarse por electroforesis en gel sobre un gel de agarosa en tampón de TBE y teñirse con bromuro de etidio. El lisado de *Drosophila* se preparó usando embriones de cero a dos horas de edad de moscas Oregon R recogidos sobre agar de melaza fermentado que están desprovistos de corion y lisados. El lisado se centrifugó y el sobrenadante se aisló. El ensayo comprendía una mezcla de reacción que contenía lisado al 50% [vol/vol], ARN (concentración final de 10-50 pM) y tampón de lisis al 10% [vol/vol] que contenía ANic (concentración final de 10 nM). La mezcla de reacción también contenía fosfato de creatina 10 mM, creatina fosfoquinasa a 10 ug/ml, GTP 100 uM, UTP 100 uM, CTP 100 uM, ATP 500 uM, DTT 5 mM, RNasin 0,1 U/ul (Promega), y 100 uM de cada aminoácido. La concentración final de acetato potásico se ajustó a 100 mM. Las reacciones se pre-ensamblaron en hielo y se preincubaron a 25°C durante 10 minutos antes de añadir ARN, después se incubaron a 25°C durante 60 minutos adicionales. Las reacciones se inactivaron con 4 volúmenes de 1,25 x de Tampón de Lisis Pasivo (Promega). La escisión del ARN diana se ensayó mediante análisis RT-PCR u otros procedimientos conocidos en la técnica y se comparó con las reacciones de control en las que se excluyó el ANic de la reacción.

Como alternativa, para el ensayo se preparó ARN diana marcado internamente mediante transcripción *in vitro* en presencia de [alfa-³²P]CTP, pasado sobre una columna G50 Sephadex por cromatografía tipo spin y se usó como ARN diana sin purificación adicional. Opcionalmente, el ARN diana se marcó en el extremo 5' con ³²P usando la enzima polinucleótido quinasa de T4. Los ensayos se realizaron como se ha descrito anteriormente y el ARN diana y los productos de escisión del ARN específicos generados por la iARN se visualizaron sobre una autorradiografía de un gel. El porcentaje de escisión se determinó por cuantificación mediante Phosphor Imager® de bandas que representan ARN de control intacto o ARN de reacciones de control sin ANic y los productos de escisión generados por el ensayo.

En una realización, este ensayo se usó para determinar sitios diana del ARN diana para la escisión de iARN mediada por ANic, en el que se exploró una pluralidad de construcciones de ANic para la escisión del ARN diana mediada por iARN, por ejemplo, analizando la reacción de ensayo por electroforesis del ARN diana marcado o por transferencia de Northern, así como por otra metodología bien conocida en la técnica.

Ejemplo 10: Inhibición por ácido nucleico de ARN diana *in vivo*

Se diseñaron moléculas de ANic dirigidas al ARN diana y se sintetizaron como se ha descrito anteriormente. Estas moléculas de ácido nucleico pueden ensayarse para determinar la actividad de escisión *in vivo*, usando, por ejemplo, el siguiente procedimiento.

- 5 Se usaron dos formatos para ensayar la eficacia de los ANic que se dirigen a un transcrito génico particular. En primer lugar, se ensayaron los reactivos en células de expresión diana (por ejemplo, HeLa), para determinar el grado de inhibición del ARN y de la proteína. Se seleccionaron reactivos del ANic frente a la diana de ARN. La inhibición del ARN se midió después de administrar estos reactivos mediante un agente de transfección adecuado a células. Las cantidades relativas del ARN diana se midieron frente a actina usando PCR a tiempo real controlando la amplificación (por ejemplo, ABI 7700 Taqman®). Se realizó una comparación con una mezcla de secuencias de oligonucleótidos fabricada para dianas no relacionadas o para un control de ANic aleatorizado con la misma longitud y química global, pero sustituidas aleatoriamente en cada posición. Se seleccionaron reactivos primarios y secundarios líder para la diana y se realizó la optimización. Después de seleccionar una concentración de agente de transfección óptima, se realizó un transcurso de tiempo de inhibición de ARN con la molécula de ANic líder. Además, para determinar la inhibición del ARN, puede usarse un formato de siembra de células en placa.

Suministro del ANic a células

- 20 El día anterior a la transfección, se sembraron células (por ejemplo HeLa), por ejemplo, a 1×10^5 células por pocillo de una placa de seis pocillos, en EGM-2 (BioWhittaker). Se formó un complejo de ANic (concentración final, por ejemplo, 20 nM) y lípido catiónico (por ejemplo, concentración final 2 µg/ml) en medio basal EGM (BioWhittaker) a 37°C durante 30 minutos en tubos de poliestireno. Después de someter a agitación vorticial, el ANic que formaba complejos se añadió a cada pocillo y se incubó durante los tiempos indicados. Para los experimentos de optimización iniciales, las células se sembraron, por ejemplo, a 1×10^3 en placas de 96 pocillos y se añadieron los complejos de ANic como se describe. La eficacia del suministro de ANic a las células se determinó usando un ANic fluorescente que formaba complejos con lípido. Las células en placas de 6 pocillos se incubaron con ANic durante 24 horas, se aclararon con PBS y se fijaron en paraformaldehído al 2% durante 15 minutos a temperatura ambiente. La captación de ANic se visualizó usando un microscopio fluorescente.

Cuantificación del ARNm por Taqman y Lightcycler

- 30 Se preparó ARN total a partir de células después de suministro del ANic, por ejemplo, usando kits de purificación de ARN Qiagen para ensayos de 6 pocillos o kits de extracción Rneasy para ensayos de 96 pocillos. Para el análisis Taqman, se sintetizaron sondas doblemente marcadas con el colorante indicador, FAM o JOE, unido covalentemente al extremo 5' y el colorante de inactivación TAMRA conjugado al extremo 3'. Se realizaron amplificaciones por RT-PCR de una etapa en, por ejemplo, el Detector de Secuencia ABI PRISM 7700 usando reacciones de 50 µl que consistían en 10 µl de ARN total, cebador directo 100 nM, cebador inverso 900 nM, sonda 100 nM, tampón de reacción de PCR TaqMan 1X (PE-Applied Biosystems), MgCl₂ 5,5 nM, 300 µM de cada dATP, dCTP, dGTP y dTTP, inhibidor de RNasa 10U (Promega), 1,25 U de AmpliTaq Gold (PE-Applied Biosystems) y 10 U de Transcriptasa Inversa M-MLV (Promega). Las condiciones de ciclado térmico pueden consistir en 30 min a 48°C, 10 min a 95°C, seguido por 40 ciclos de 15 s a 95°C y 1 min a 60°C. La cuantificación de los niveles del ARNm se determina con respecto a los patrones generados a partir de ARN celular total diluido en serie (300, 100, 33, 11 ng/rxn) y normalizados con respecto al ARNm de β-actina o GAPDH en reacciones TaqMan en paralelo. Para cada gen de interés se diseñó un cebador superior e inferior y una sonda marcada con fluorescencia. La incorporación a tiempo real del colorante SYBR Green I en un producto de PCR específico puede medirse en tubos capilares de vidrio usando un lightcycler. Se generó una curva patrón para cada par de cebadores usando ARNc de control. Los valores se representaron como expresión relativa con respecto a GAPDH en cada muestra.

Transferencia de Western

- 45 Se pueden preparar extractos nucleares usando una técnica de micropreparación convencional (véase, por ejemplo, Andrews y Faller, 1991, Nucleic Acids Research, 19, 2499). Se prepararon extractos de proteínas a partir de sobrenadante usando, por ejemplo, precipitación con TCA. Se añadió un volumen igual de TCA al 20% al sobrenadante celular, se incubó sobre hielo durante 1 hora y se sedimentó por centrifugación durante 5 min. Los sedimentos se lavaron en acetona, se secaron y se resuspendieron en agua. Los extractos de proteína celular se procesaron sobre un gel de poliacrilamida Bis-Tris NuPage al 10% (extractos nucleares) o Tris-Glicina al 4-12% (extractos de sobrenadante) y se transfirieron a membranas de nitrocelulosa. La unión inespecífica se puede bloquear mediante incubación, por ejemplo, con leche desnatada al 5% durante 1 hora seguido por anticuerpo primario durante 16 horas a 4°C. Después de los lavados, se aplicó el anticuerpo secundario, por ejemplo (dilución 1:10.000) durante 1 hora a temperatura ambiente y se detectó la señal con el reactivo SuperSignal (Pierce).

Ejemplo 11: Modelos Animales

Pueden usarse diversos modelos animales para explorar construcciones de ANic *in vivo* como se conoce en la técnica, por ejemplo, los modelos animales que se usan para evaluar otras tecnologías de ácido nucleico tales como moléculas de ácido nucleico enzimáticas (ribozimas) y/o antisentido. Dichos modelos animales se usan para ensayar la eficacia de las moléculas de ANic descritas en este documento. En un ejemplo no limitante, las moléculas de ANic que se diseñan como agentes antiangiogénicos pueden explorarse en modelos animales. Existen varios modelos animales en los que el efecto antiangiogénesis de los ácidos nucleicos de la presente invención, tales como el ANic, se dirige contra genes asociados con la angiogénesis y/o metástasis, tales como genes VEGFR (por ejemplo, VEGFR1, VEGFR2 y VEGFR3). Típicamente se ha usado un modelo de córnea para estudiar la angiogénesis en rata y conejo, ya que en este tejido normalmente avascular se puede seguir fácilmente el reclutamiento de vasos sanguíneos (Pandey y col., 1995 Science 268: 567-569). En estos modelos, un pequeño disco de Teflón o Hydron previamente tratado con un factor de angiogénesis (por ejemplo bFGF o VEGF) se inserta dentro de un bolsillo creado quirúrgicamente en la córnea. La angiogénesis se controla de 3 a 5 días después. También se suministran en el disco moléculas de ANic dirigidas contra los ARNm de VEGFR o se administran gota a gota en el ojo durante el transcurso del experimento. En otro modelo ocular, se ha demostrado que la hipoxia produce tanto una expresión aumentada de VEGF como neovascularización en la retina (Pierce y col., 1995 Proc. Natl. Acad. Sci. USA. 92: 905-909; Shweiki y col., 1992 J. Clin. Invest. 91: 2235-2243).

Existen varios modelos animales para explorar agentes antiangiogénicos. Éstos incluyen la formación de vasos en la córnea después de una lesión de la córnea (Burger y col., 1985 Cornea 4: 35-41; Lepri, y col., 1994 J. Ocular Pharmacol. 10: 273-280; Ormerod y col., 1990 Am. J. Pathol. 137: 1243-1252) o el implante del factor de crecimiento intracorneal (Grant y col., 1993 Diabetologia 36: 282-291; Pandey y col. 1995, mencionado anteriormente; Zieche y col., 1992 Lab. Invest. 67: 711-715), o el crecimiento de vasos en la matriz de Matrigel que contenía factores de crecimiento (Passaniti y col., 1992 mencionado anteriormente), neovascularización de los órganos reproductores femeninos después de manipulación hormonal (Shweiki y col., 1993 Clin. Invest. 91: 2235-2243), implicando varios modelos la inhibición del crecimiento tumoral en tumores sólidos muy vascularizados (O'Reilly y col., 1994 Cell 79: 315-328; Senger y col., 1993 Cancer and Metas. Rev. 12: 303-324; Takahasi y col., 1994 Cancer Res. 54: 4233-4237; Kim y col., 1993, mencionados anteriormente) y neovascularización inducida por hipoxia transitoria en la retina de ratón (Pierce y col., 1995 Proc. Natl. Acad. Sci. USA. 92: 905-909).

El modelo de córnea, descrito en Pandey y col., mencionado anteriormente, es el modelo de exploración de la eficacia de agentes anti-angiogénicos más habitual y está bien caracterizado. Este modelo implica un tejido avascular en el que se reclutan vasos mediante un agente de estimulación (factor de crecimiento, quemadura térmica o alcalina, endotoxina). El modelo de córnea utilizaría el implante de córnea intraestromático de un microgránulo de Teflón empapado en una solución de VEGF-Hydron para reclutar vasos sanguíneos hacia el microgránulo, lo cual puede cuantificarse usando técnicas microscópicas convencionales y de análisis por imagen. Para evaluar su eficacia anti-angiogénica, se aplican ribozimas tópicamente en el ojo o unidas con Hydron en el propio microgránulo de Teflón. Esta córnea avascular, así como el modelo Matrigel proporcionan ensayos de bajo efecto de fondo. Aunque el modelo de córnea se ha realizado ampliamente en el conejo, también se han realizado estudios en rata.

El modelo de ratón (Passaniti y col., mencionado anteriormente) es un modelo no tisular que utiliza Matrigel, un extracto de membrana basal (Kleinman y col., 1986) o discos de filtro Millipore®, que pueden impregnarse con factores de crecimiento y agentes anti-angiogénicos en una forma líquida antes de la inyección. Después de la administración subcutánea a temperatura corporal, el Matrigel o los discos de filtro Millipore® forman un implante sólido. El VEGF impregnado en el Matrigel o disco de filtro Millipore® se usa para reclutar vasos dentro de la matriz de Matrigel o disco de filtro Millipore®, que puede procesarse histológicamente para inmunohistoquímica vWF (antígeno del factor VIII) específica de células endoteliales, tinción Trichrome-Masson o contenido de hemoglobina. Del mismo modo que la córnea, el Matrigel o el disco de filtro Millipore® son avasculares; sin embargo, no son tejidos. En el modelo Matrigel o de disco de filtro Millipore®, las moléculas de ANic se administran dentro de la matriz de Matrigel o del disco de filtro Millipore® para ensayar su eficacia anti-angiogénica. Por lo tanto, las cuestiones de suministro en este modelo, así como con el suministro de moléculas de ANic mediante microgránulos de Teflón revestidos con Hydron en el modelo de córnea de rata, pueden ser menos problemáticas debido a la presencia homogénea del ANic dentro de la matriz respectiva.

Los modelos de carcinoma pulmonar de Lewis y de melanoma murino B-16 son modelos bien aceptados de cáncer primario y metastásico y se usan para la exploración inicial de agentes anticancerosos. Estos modelos murinos no dependen del uso de ratones inmunodeficientes, son relativamente económicos y minimizan las preocupaciones de alojamiento. Los modelos tanto pulmonar de Lewis como de melanoma B-16 implican el implante subcutáneo de aproximadamente 10⁶ células tumorales de líneas de células tumorales agresivas desde el punto de vista metastásico (líneas pulmonares de Lewis 3LL o D122, LLC-LN7; melanoma B-16-BL6) en ratones C57BL/6J. Como alternativa, el modelo pulmonar de Lewis puede producirse por implante quirúrgico de esferas tumorales

(aproximadamente 0,8 mm de diámetro). La metástasis también puede configurarse inyectando directamente las células tumorales i.v. En el modelo pulmonar de Lewis, pueden observarse metástasis microscópicas aproximadamente 14 días después del implante con tumores metastásicos macroscópicos cuantificables desarrollados a los 21-25 días. El melanoma B-16 muestra una evolución temporal similar con neovascularización tumoral comenzando 4 días después del implante. Ya que en estos modelos existen tumores tanto primarios como metastásicos después de 21-25 días en el mismo animal, pueden tomarse múltiples mediciones como índices de eficacia. Puede cuantificarse el volumen y la latencia de crecimiento del tumor primario así como el número de focos pulmonares metastásicos micro- y macroscópicos o número de animales que muestran metástasis. También puede medirse el porcentaje de aumento de duración de la vida. Por lo tanto, estos modelos proporcionan ensayos primarios de eficacia adecuados para explorar sistémicamente las moléculas de ANic y formulaciones de ANic administradas.

En los modelos pulmonar de Lewis y de melanoma B-16, normalmente la farmacoterapia sistémica con una amplia diversidad de agentes comienza 1-7 días después del implante/inoculación tumoral con regímenes de administración continuos o múltiples. Pueden realizarse estudios farmacocinéticos simultáneos para determinar si pueden conseguirse niveles suficientes de ANic en tejido para esperar el efecto farmacodinámico. Adicionalmente, pueden retirarse tumores primarios y metástasis pulmonares secundarias y someterse a una diversidad de estudios *in vitro* (es decir, reducción del ARN diana).

Utilizando estos modelos para evaluar la actividad de ANic, pueden medirse niveles de proteína VEGFR1, VEGFR2 y/o VEGFR3 clínica o experimentalmente mediante análisis FACS. Los niveles de ARNm que codifican VEGFR1, VEGFR2 y/o VEGFR3 se evaluarán mediante análisis de Northern, protección frente a RNasa, análisis de extensión cebador y/o RT-PCR cuantitativa. De esta manera, pueden identificarse moléculas de ANic que bloquean los ARNm que codifican las proteínas VEGFR1, VEGFR2 y/o VEGFR3 y, por lo tanto, dan como resultado niveles disminuidos de actividad VEGFR1, VEGFR2 y/o VEGFR3 en más del 20% *in vitro*.

Ejemplo 12: Inhibición de la angiogénesis *in vivo* mediada por ANic

El fin de este estudio era evaluar la actividad antiangiogénica de ANic dirigida contra VEGFR1 en el modelo de córnea de rata de angiogénesis inducida por VEGF (véase anteriormente). Estas moléculas de ANic tienen controles invertidos correspondientes que son inactivos ya que no son capaces de interactuar con la diana de ARN. Las moléculas de ANic y VEGF se suministraron conjuntamente usando el procedimiento del disco de filtro: discos de filtro de Nitrocelulosa (Millipore®) de 0,057 de diámetro se sumergieron en soluciones apropiadas y se implantaron quirúrgicamente en córneas de rata como describen Pandey y col., mencionado anteriormente.

El estímulo para la angiogénesis en este estudio fue el tratamiento del disco de filtro con VEGF 30 μ M que se implantó dentro del estroma de la córnea. Esta dosis produce neovascularización reproducible que parte del plexo vascular pericorneal que crece hacia el disco en un estudio de respuesta a la dosis 5 días después del implante. Los discos de filtro tratados solamente con el vehículo para VEGF no muestran respuesta angiogénica. El ANic se administró conjuntamente con VEGF en un disco en dos concentraciones de ANic diferentes. Una preocupación con la administración simultánea es que el ANic no sería capaz de inhibir la angiogénesis, ya que los receptores del VEGF pueden estimularse. Sin embargo, el Solicitante ha observado que a dosis bajas de VEGF, la respuesta neovascular se vuelve normal, lo que sugiere que el estímulo de VEGF es esencial para mantener la respuesta angiogénica. El bloqueo de la producción de los receptores de VEGF usando la administración simultánea de ANic de ARNm anti-VEGFR atenuaría la neovascularización normal inducida por el disco de filtro tratado con VEGF.

Materiales y Procedimientos:

Compuestos de Ensayo y Controles

VEGF de Systems R&D, sin vehículo a 75 μ M en Tris-Cl 82 mM, pH 6,9

ANic, 1,67 μ g/ μ l, SITIO 2340 (SEC ID N°: 2; SEC ID N°: 6) con sentido/antisentido

ANic, 1,67 μ g/ μ l, CONTROL INVERTIDO PARA EL SITIO 2340 (SEC ID N°: 19; SEC ID N°: 20) con sentido/antisentido

ANic 1,67 μ g/ μ l, Sitio 2340 (SEC ID N°: 419; SEC ID N°: 420) con sentido/antisentido

Animales

Ratas Harlan Sprague-Dawley, Aproximadamente 225-250 g

45 machos, 5 animales por grupo.

Cría

Los animales se alojan en grupos de dos. El alimento, el agua, la temperatura y la humedad se determinan de

- 5 acuerdo con las normas de funcionamiento de Instalaciones de Ensayo de Farmacología (SOP), que están de acuerdo con la Guía de 1996 para el Cuidado y Uso de Animales de Laboratorio (NRC). Los animales se aclimatan a la instalación durante al menos 7 días antes de la experimentación. Durante este tiempo, los animales se observan para determinar la salud global y se toman muestras de sangre de centinelas para determinar la serología basal.

Grupos Experimentales

Cada solución (VEGF y ANic) se preparó como una solución **1X** para las concentraciones finales mostradas en los grupos experimentales descritos en la Tabla III.

Condiciones de Hibridación de ANic

- 10 Las cadenas sentido y antisentido de ANic se hibridan durante 1 minuto en H₂O a 1,67 mg/ml/cadena seguido por 1 hora de incubación a 37°C, produciendo 3,34 mg/ml de ANic en dúplex. Para el tratamiento de 20 µg/ojo, se inyectan 6 µl de los 3,34 mg/ml de dúplex en el ojo (véase mas adelante). Los 3,34 mg/ml de ANic dúplex después se pueden diluir en serie para ensayos de dosis respuesta.

Preparación de Disco de Filtro de VEGF

- 15 Para el implante corneal, discos de nitrocelulosa de 0,57 mm de diámetro, preparados a partir de membranas de filtro de nitrocelulosa con un diámetro de poro de 0,45 µm (Millipore Corporation), se empaparon durante 30 min en 1 µl de VEGF 75 µM en Tris HCl 82 mM (pH 6,9) en placas de petri revestidas en hielo. Los discos de filtro empapados sólo con el vehículo para VEGF (Tris-Cl 83 mM pH 6,9) no provocan respuesta angiogénica.

Cirugía corneal

- 20 El modelo de córnea de rata usado en este estudio fue uno modificado a partir de Koch y col., mencionado anteriormente, y Pandey y col., mencionado anteriormente. En resumen, las córneas se irrigaron con solución de povidona y yodo al 0,5% seguido por solución salina normal y dos gotas de lidocaína al 2%. Bajo un microscopio de disección (Leica MZ-6), se creó un bolsillo estromático y se insertó un disco de filtro empapado previamente (véase anteriormente) en el bolsillo de forma que su borde estuviera a 1 mm del limbo corneal.

- 25 *Inyección intraconjuntival de soluciones de ensayo*

- 30 Inmediatamente después de la inserción del disco, se insertó la punta de un inyector OD de 40-50 µm (construido en el laboratorio de los presentes inventores) dentro del tejido conjuntival a 1 mm del borde del limbo corneal que era directamente adyacente al disco de filtro empapado en VEGF. Se dosificaron seiscientos nanolitros de solución de ensayo (ANic, control invertido o vehículo de agua estéril) a una velocidad de 1,2 µl/min usando una bomba de jeringa (Kd Scientific). Después se retiró el inyector, se enjuagó en serie en etanol al 70% y agua estéril y se sumergió en agua estéril entre cada inyección. Una vez inyectada la solución de ensayo, se mantuvo el párpado cerrado usando clips de microaneurisma hasta que el animal comenzó a recuperar la actividad motora general. Después del tratamiento, los animales se calentaron en una almohadilla calefactora a 37°C.

Cuantificación de la respuesta angiogénica

- 35 Cinco días después del implante del disco, los animales se sometieron a eutanasia después de la administración im de 0,4 mg/kg de atropina y se obtuvieron imágenes digitales de las córneas. El área de superficie neovascular (ASN, expresada en píxeles) se midió post mórtem a partir de los vasos corneales cargados de sangre usando morfometría computarizada (Image Pro Plus, Media Cybernetics, v2.0). El ASN media individual se determinó por triplicado a partir de tres regiones de tamaño idéntico en el área de neovascularización máxima entre el disco de filtro y el limbo. Se sumó el número de píxeles correspondiente a los vasos corneales cargados de sangre en estas regiones para producir un índice de ASN. Después se calculó un ASN media de grupo. Los datos de cada grupo de tratamiento de normalizaron para ASN de control tratado con vehículo de VEGF/ANic y finalmente se expresaron como un porcentaje de inhibición de la angiogénesis inducida por VEGF.

Estadística

- 45 Después de determinar la normalidad de las medias de grupo de tratamiento, el porcentaje de inhibición medio de grupo de angiogénesis inducida por VEGF se sometió a un análisis de varianza de una vía. Esto se siguió por dos ensayos post-hoc para determinar el significado, incluyendo el procedimiento de Dunnett (comparación con el control de VEGF) y Tukey-Kramer (todas las comparaciones de medias de grupo restantes) a alfa = 0,05. Se realizaron análisis estadísticos usando JMP v.3.1.6 (SAS Institute).
- 50 Los resultados se representan gráficamente en la **Figura 23**. Como se muestra en la **Figura 23**, ANic activos en el

sitio 4229 de VEGFR1 a tres concentraciones fueron eficaces para inhibir la angiogénesis en comparación con el control de ANic invertido y el control de VEGF. Una versión modificada químicamente del ANic activo en el sitio 4229 de VEGFR1 que comprende una cadena con sentido que tiene 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidinas y ribo purinas con restos abásicos desoxi invertidos 5'- y 3'-terminales (SEC ID N°: 419) y una cadena antisentido que tiene 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidinas y ribo purinas con un enlace internucleotídico de 3'-fosforotioato terminal (SEC ID N°: 420), mostraron una inhibición similar. Este resultado muestra que las moléculas de ANic de composición modificada químicamente diferentes de la invención son capaces de inhibir significativamente la angiogénesis *in vivo*.

Ejemplo 13: Inhibición mediada por iARN de expresión de ARN de EGFR (HER1)

Se ensayaron construcciones de ANic (**Tabla I**) para determinar su eficacia para reducir la expresión de ARN de EGFR (HER1) en células A549. Las células A549 se sembraron aproximadamente 24 h antes de la transfección en placas de 96 pocillos a 5.000-7.500 células/pocillo, 100 µl/pocillo, de forma que en el momento de la transfección las células tuvieran una confluencia del 70-90%. Para la transfección, se mezclaron ANic hibridados con el reactivo de transfección (Lipofectamine 2000, Invitrogen) en un volumen de 50 µl/pocillo y se incubaron durante 20 min a temperatura ambiente. Las mezclas de transfección de ANic se añadieron a células para dar una concentración de ANic final de 25 nM en un volumen de 150 µl. Cada mezcla de transfección de ANic se añadió a 3 pocillos para tratamientos de ANic por triplicado. Las células se incubaron a 37°C durante 24 h en presencia continua de la mezcla de transfección de ANic. A las 24 h, se preparó ARN a partir de cada pocillo de células tratadas. Primero se retiraron y se desecharon los sobrenadantes con las mezclas de transfección, después las células se lisaron y se preparó el ARN a partir de cada pocillo. La expresión de genes diana después del tratamiento se evaluó mediante RT-PCR para el gen diana y para un gen de control (36B4, una subunidad de ARN polimerasa) para su normalización. Se calculó el promedio de los datos por triplicado y se determinaron las desviaciones típicas para cada tratamiento. Los datos normalizados se representaron gráficamente y se determinó el porcentaje de reducción de ARNm diana mediante ANic activos en comparación con sus ANic de control invertidos respectivos.

Los resultados de este estudio se muestran en la **Figura 25**. Una construcción de ANic que comprende ribonucleótidos y protecciones de ditimidina 3'-terminales (RPI n° 30988/31064) se comparó con una construcción de ANic modificada químicamente que comprendía nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina y ribonucleótidos de purina en los que la cadena con sentido del ANic estaba modificada adicionalmente con protecciones abásicas desoxi invertidas 5'- y 3'-terminales y la cadena antisentido comprendía un enlace internucleotídico de fosforotioato 3'-terminal (RPI n° 31300/31301), que también se comparó con un control invertido de la misma química (RPI n° 31314/31325). Adicionalmente, las construcciones de ANic también se compararon con células no tratadas, células transfectadas con lípido y construcciones de ANic desorganizado (Desorg. 1 y Desorg. 2), y células transfectadas únicamente con lípido (control de transfección). Como se muestra en la figura, las dos construcciones de ANic reducen significativamente la expresión del ARN de EGFR. Otras químicas de estabilización adicionales como se describen en la **Tabla IV** se ensayaron de forma similar para determinar su actividad.

Ejemplo 14: Inhibición mediada por iARN de la expresión de ARN de PKC-alfa

Se ensayaron construcciones de ANic (**Tabla I**) para determinar su eficacia para reducir la expresión de ARN de PKC-alfa en, por ejemplo, células A549. Se sembraron células aproximadamente 24 h antes de la transfección en placas de 96 pocillos a 5.000-7.500 células/pocillo, 100 µl/pocillo, de forma que en el momento de la transfección las células tenían una confluencia del 70-90%. Para la transfección, ANic hibridados se mezclaron con el reactivo de transfección (Lipofectamine 2000, Invitrogen) en un volumen de 50 µl/pocillo y se incubaron durante 20 min a temperatura ambiente. Las mezclas de transfección de ANic se añadieron a las células para dar una concentración de ANic final de 25 nM en un volumen de 150 µl. Cada mezcla de transfección de ANic se añadió a 3 pocillos para tratamientos de ANic por triplicado. Las células se incubaron a 37°C durante 24 h en presencia continuada de la mezcla de transfección de ANic. A las 24 h, se preparó ARN a partir de cada pocillo de células tratadas. Los sobrenadantes con las mezclas de transfección se retiraron y desecharon primero, después las células se lisaron y se preparó ARN a partir de cada pocillo. La expresión del gen diana después del tratamiento se evaluó mediante RT-PCR para el gen diana y para un gen de control (36B4, una subunidad de ARN polimerasa) para su normalización. Se calculó el promedio de los datos por triplicado y se determinaron las desviaciones típicas para cada tratamiento. Los datos normalizados se representaron gráficamente y se determinó el porcentaje de reducción de ARNm diana mediante ANic activos en comparación con sus ANic de control invertidos respectivos.

En un ejemplo no limitante, construcciones de ANic se exploraron para determinar su actividad (véase la **Figura 26**) y se compararon con células no tratadas, construcciones de control de ANic desorganizado (Desorg. 1 y Desorg. 2) y células transfectadas únicamente con lípido (control de transfección). Como se muestra en la **Figura 26**, las construcciones de ANic reducen significativamente la expresión de ARN de PKC-alfa. Los candidatos

generados a partir de una selección de este tipo se ensayaron después adicionalmente. En un ejemplo no limitante, se ensayaron construcciones de ANic que comprendían ribonucleótidos y protecciones de ditimidina 3'-terminales junto con una construcción de ANic modificada químicamente que comprendía nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina y ribonucleótidos de purina, en los que la cadena con sentido de ANic estaba modificada adicionalmente con protecciones abásicas desoxi invertidas 5'- y 3'-terminales y la cadena antisentido comprendía un enlace internucleotídico de fosforotioato 3'-terminal. Otras químicas de estabilización adicionales como se describen en la **Tabla IV** se ensayaron de forma similar para determinar su actividad. Estas construcciones de ANic se compararon con controles invertidos de la misma química apropiados. Adicionalmente, las construcciones de ANic también se compararon con células no tratadas, células transfectadas con lípido y construcciones de ANic desorganizado y células transfectadas únicamente con lípido (control de transfección).

Ejemplo 15: Inhibición de la expresión de ARN de Myc mediada por iARN

Se ensayaron las construcciones de ANic (**Tabla I**) para determinar su eficacia para reducir la expresión de ARN de Myc (c-Myc) en células 293T. Se sembraron células 293T aproximadamente 24 h antes de la transfección en placas de 96 pocillos a 5.000-7.500 células/pocillo, 10 µl/pocillo, de manera que en el momento de la transfección las células tenían una confluencia del 70-90%. Para la transfección, los ANic hibridados se mezclaron con el reactivo de transfección (Lipofectamine 2000, Invitrogen) en un volumen de 50 µl/pocillo y se incubaron durante 20 min a temperatura ambiente. Las mezclas de transfección de ANic se añadieron a células para dar una concentración final de ANic de 25 nM en un volumen de 150 µl. Cada mezcla de transfección de ANic se añadió a 3 pocillos para tratamientos de ANic por triplicado. Las células se incubaron a 37°C durante 24 h en presencia continua de la mezcla de transfección de ANic. A las 24 h, se preparó ARN a partir de cada pocillo de células tratadas. Los sobrenadantes con las mezclas de transfección se retiraron y desecharon primero, después las células se lisaron y se preparó ARN a partir de cada pocillo. Se evaluó la expresión del gen diana después del tratamiento mediante RT-PCR para el gen diana y para un gen de control (36B4, una subunidad de ARN polimerasa) para su normalización. Se calculó el promedio de los datos por triplicado y se determinaron las desviaciones típicas para cada tratamiento. Los datos normalizados se representaron gráficamente y se determinó el porcentaje de reducción del ARNm diana mediante los ANic activos en comparación con sus ANic de control invertidos respectivos.

Los resultados de este estudio se muestran en la **Figura 27**. Se comparó una exploración de construcciones de ANic con células no tratadas, construcciones de control de ANic desorganizado (Desorg. 1 y Desorg. 2) y células transfectadas sólo con lípido (control de transfección). Como se muestra en la Figura, tres de las construcciones de ANic (RPI 30993/31069; RPI 30995/31071; y RPI 30996/31072) redujeron significativamente la expresión del ARN de c-Myc. Otras químicas de estabilización adicionales como se describen en la **Tabla IV** se ensayaron de forma similar para determinar su actividad.

Ejemplo 16: Inhibición de la expresión de ARN de BCL2 mediada por iARN

Se ensayaron construcciones de ANic (**Tabla I**) para determinar su eficacia para reducir la expresión de ARN de BCL2 en, por ejemplo, células A549. Las células se sembraron aproximadamente 24 h antes de la transfección en placas de 96 pocillos a 5.000-7.500 células/pocillo, 100 µl/pocillo, de tal manera que en el momento de la transfección las células tenían una confluencia del 70-90%. Para la transfección, los ANic hibridados se mezclaron con el reactivo de transfección (Lipofectamine 2000, Invitrogen) en un volumen de 50 µl/pocillo y se incubaron durante 20 min a temperatura ambiente. Las mezclas de transfección de ANic se añadieron a las células para dar una concentración de ANic final de 25 nM en un volumen de 150 µl. Cada mezcla de transfección de ANic se añadió a 3 pocillos para tratamientos de ANic por triplicado. Las células se incubaron a 37°C durante 24 h en presencia continua de la mezcla de transfección de ANic. A las 24 h, se preparó ARN a partir de cada pocillo de células tratadas. Los sobrenadantes con las mezclas de transfección se retiraron y desecharon primero, después las células se lisaron y se preparó el ARN a partir de cada pocillo. Se evaluó la expresión del gen diana después del tratamiento por RT-PCR para el gen diana y un gen de control (36B4, una subunidad de ARN polimerasa) para su normalización. Se calculó el promedio de los datos por triplicado y se determinaron las desviaciones típicas para cada tratamiento. Los datos normalizados se representaron gráficamente y se determinó el porcentaje de reducción del ARNm diana por ANic activos en comparación con sus ANic de control invertidos respectivos.

En un ejemplo no limitante, se transfectaron células A549 con 0,25 µg/pocillo de lípido formando complejo con ANic 25 nM. Se ensayó una construcción de ANic que comprendía ribonucleótidos y protecciones de ditimidina 3'-terminales (RPI nº 30998/31074) junto con una construcción de ANic químicamente modificada que comprendía nucleótidos 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina y ribonucleótidos de purina en la que la cadena con sentido del ANic se modificó adicionalmente con protecciones abásicas desoxi invertidas 5'- y 3'-terminales y la cadena antisentido comprendía un enlace internucleotídico de fosforotioato 3' terminal (RPI nº 31368/31369), que también se comparó con un control invertido de la misma química (RPI nº 31370/31371) y una construcción de ANic químicamente modificada que comprendía nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina y 2'-desoxi-2'-fluoro purina en el que la

cadena con sentido del ANic estaba modificada adicionalmente con protecciones abásicas desoxi invertidas 5'- y 3'-terminales y la cadena antisentido comprendía un enlace internucleotídico fosforotioato 3'-terminal (RPI nº 31372/31373) que también se comparó con un control invertido de la misma química (RPI nº 31374/31375). Además, las construcciones de ANic también se compararon con células no tratadas, células transfectadas con lípido y construcciones de ANic desorganizado (Desorg. 1 y Desorg. 2) y células transfectadas sólo con lípido (control de transfección). Como se muestra en la **Figura 28**, las construcciones de ANic reducen significativamente la expresión del ARN de BCL2 en comparación con los controles desorganizados, no tratados y de transfección. Otras químicas de estabilización adicionales como se describen en la **Tabla IV** se ensayaron de forma similar para determinar su actividad.

Ejemplo 17: Inhibición de la expresión de ARN de CHK-1 mediada por iARN

Se ensayaron construcciones de ANic (**Tabla I**) para determinar su eficacia para reducir la expresión del ARN de CHK-1 en células A549. Se sembraron células A549 aproximadamente 24 h antes de la transfección en placas de 96 pocillos a 5.000-7.500 células/pocillo, 100 µl/pocillo, de tal manera que en el momento de la transfección las células tenían una confluencia del 70-90%. Para la transfección, los ANic hibridados se mezclaron con el reactivo de transfección (Lipofectamine 2000, Invitrogen) en un volumen de 50 µl/pocillo y se incubaron durante 20 min a temperatura ambiente. Las mezclas de transfección de ANic se añadieron a las células para dar una concentración de ANic final de 25 nM en un volumen de 150 µl. Cada mezcla de transfección de ANic se añadió a 3 pocillos para tratamientos de ANic por triplicado. Las células se incubaron a 37°C durante 24 h en presencia continua de la mezcla de transfección de ANic. A las 24 h, se preparó el ARN a partir de cada pocillo de células tratadas. Los sobrenadantes con las mezclas de transfección se retiraron y desecharon primero, después las células se lisaron y se preparó el ARN a partir de cada pocillo. Se evaluó la expresión del gen diana después del tratamiento por RT-PCR para el gen diana y para un gen de control (36B4, una subunidad de ARN polimerasa) para su normalización. Se calculó el promedio de los datos por triplicado y se determinaron las desviaciones típicas para cada tratamiento. Los datos normalizados se representaron gráficamente y se determinó el porcentaje de reducción del ARNm diana por los ANic activos en comparación con sus ANic de control invertidos respectivos.

Los resultados de este estudio se muestran en la **Figura 29**. Una construcción de ANic que comprendía ribonucleótidos y protecciones de ditimidina 3'-terminales (RPI nº 31003/31079) y una construcción de ANic químicamente modificada que comprendía nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina y ribonucleótidos de purina en la que la cadena con sentido del ANic estaba modificada adicionalmente con protecciones abásicas desoxi invertidas 5'- y 3'-terminales y en la que la cadena antisentido comprendía un enlace internucleotídico de fosforotioato 3'-terminal (RPI nº 31302/31303), se compararon con un control invertido de la misma química (RPI nº 31314/31325). Además, las construcciones de ANic también se compararon con células no tratadas, células transfectadas con lípido y construcciones de ANic desorganizado (Desorg. 1 y Desorg. 2) y células transfectadas sólo con lípido (control de transfección). Como se muestra en la Figura, ambas construcciones de ANic redujeron significativamente la expresión del ARN de CHK-1 en comparación con controles apropiados. Otras químicas de estabilización adicionales como se describen en la **Tabla IV** se ensayaron de forma similar para determinar su actividad.

Ejemplo 18: Inhibición de la expresión de ARN de BACE mediada por iARN

Se ensayaron construcciones de ANic (**Tabla I**) para determinar su eficacia para reducir la expresión de ARN de BACE en, por ejemplo células A549. Las células se sembraron aproximadamente 24 h antes de la transfección en placas de 96 pocillos a 5.000-7.500 células/pocillo, 100 µl/pocillo, de tal manera que en el momento de la transfección las células tenían una confluencia del 70-90%. Para la transfección, los ANic hibridados se mezclaron con el reactivo de transfección (Lipofectamine 2000, Invitrogen) en un volumen de 50 µl/pocillo y se incubaron durante 20 min a temperatura ambiente. Las mezclas de transfección de ANic se añadieron a las células para dar una concentración de ANic final de 25 nM en un volumen de 150 µl. Cada mezcla de transfección de ANic se añadió a 3 pocillos para tratamientos de ANic por triplicado. Las células se incubaron a 37°C durante 24 h en presencia continua de la mezcla de transfección de ANic. A las 24 h, se preparó el ARN a partir de cada pocillo de células tratadas. Los sobrenadantes con las mezclas de transfección se retiraron y desecharon primero, después las células se lisaron y se preparó el ARN a partir de cada pocillo. Se evaluó la expresión del gen diana después del tratamiento mediante RT-PCR para el gen diana y para un gen de control (36B4, una subunidad de ARN polimerasa) para su normalización. Se calculó el promedio de los datos por triplicado y se determinaron las desviaciones típicas para cada tratamiento. Los datos normalizados se representaron gráficamente y se determinó el porcentaje de reducción del ARNm diana por los ANic activos en comparación con sus ANic de control invertidos respectivos.

En un ejemplo no limitante, se exploraron construcciones de ANic para determinar su actividad (véase **Figura 30**) y se compararon con células no tratadas, construcciones de control de ANic desorganizado (Desorg. 1 y Desorg. 2) y células transfectadas sólo con lípido (control de transfección). Como se muestra en la **Figura 30**, las

construcciones de ANic redujeron significativamente la expresión del ARN de BACE. Después se ensayaron adicionalmente los candidatos generados a partir de dicha exploración. En un ejemplo no limitante, las construcciones de ANic que comprendían ribonucleótidos y protecciones de ditimidina 3'-terminales se ensayaron junto con una construcción de ANic químicamente modificada que comprendía nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina y ribonucleótidos de purina, en la que la cadena con sentido del ANic estaba modificada adicionalmente con protecciones abásicas desoxi invertidas 5'- y 3'-terminales y la cadena antisentido comprendía un enlace internucleotídico de fosforotioato 3'-terminal. Otras químicas de estabilización adicionales como se describen en la **Tabla IV** se ensayaron de forma similar para determinar su actividad. Estas construcciones de ANic se compararon con controles invertidos de la misma química apropiados. Además, las construcciones de ANic también se compararon con células no tratadas, células transfectadas con lípido y construcciones de ANic desorganizado y células transfectadas sólo con lípido (control de transfección).

Ejemplo 19: Inhibición de la expresión de ARN de ciclina D1 mediada por iARN

Se ensayaron construcciones de ANic (**Tabla I**) para determinar su eficacia para reducir la expresión de ARN de ciclina D1 en células A549. Células A549 se sembraron aproximadamente 24 h antes de la transfección en placas de 96 pocillos a 5.000-7.500 células/pocillo, 100 µl/pocillo, de tal manera que en el momento de la transfección las células tenían una confluencia del 70-90%. Para la transfección, los ANic hibridados se mezclaron con el reactivo de transfección (Lipofectamine 2000, Invitrogen) en un volumen de 50 µl/pocillo y se incubaron durante 20 min a temperatura ambiente. Las mezclas de transfección de ANic se añadieron a las células para dar una concentración final de ANic de 25 nM en un volumen de 150 µl. Cada mezcla de transfección de ANic se añadió a 3 pocillos para tratamientos de ANic por triplicado. Las células se incubaron a 37°C durante 24 h en presencia continua de la mezcla de transfección de ANic. A las 24 h, se preparó el ARN a partir de cada pocillo de células tratadas. Los sobrenadantes con las mezclas de transfección se retiraron y desecharon primero, después las células se lisaron y se preparó el ARN a partir de cada pocillo. Se evaluó la expresión del gen diana después del tratamiento por RT-PCR para el gen diana y para un gen de control (36B4, una subunidad de ARN polimerasa) para su normalización. Se calculó el promedio de los datos por triplicado y las desviaciones típicas se determinaron para cada tratamiento. Los datos normalizados se representaron en una gráfica y se determinó el porcentaje de reducción del ARNm diana por los ANic activos en comparación con sus ANic de control invertidos respectivos.

Los resultados de este estudio se muestran en la **Figura 31**. Se ensayó una construcción de ANic que comprendía ribonucleótidos y protecciones de ditimidina 3'-terminales (RPI nº 30988/31064) junto con una construcción de ANic químicamente modificada que comprendía nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina y ribonucleótidos de purina en la que la cadena con sentido del ANic estaba modificada adicionalmente con protecciones abásicas desoxi invertidas 5'- y 3'-terminales y la cadena antisentido comprendía un enlace internucleotídico de fosforotioato 3'-terminal (RPI nº 31300/3130), que también se comparó con un control invertido de la misma química (RPI nº 31312/31313). Además, las construcciones de ANic también se compararon con células no tratadas, células transfectadas con lípido y construcciones de ANic desorganizado (Desorg. 1 y Desorg. 2) y células transfectadas sólo con lípido (control de transfección). Como se muestra en la Figura, las dos construcciones de ANic redujeron significativamente la expresión del ARN de ciclina D1. Otras químicas de estabilización adicionales como se describen en la **Tabla IV** se ensayaron de forma similar para determinar su actividad.

Ejemplo 20: Inhibición de la expresión de ARN de PTP-1B mediada por iARN

Se ensayaron construcciones de ANic (**Tabla I**) para determinar su eficacia para reducir la expresión del ARN de PTP-1B en células A549. Células A549 se sembraron aproximadamente 24 h antes de la transfección en placas de 96 pocillos a 5.000-7.500 células/pocillo, 100 µl/pocillo, de tal manera que en el momento de la transfección las células tenían una confluencia del 70-90%. Para la transfección, los ANic hibridados se mezclaron con el reactivo de transfección (Lipofectamine 2000, Invitrogen) en un volumen de 50 µl/pocillo y se incubaron durante 20 min a temperatura ambiente. Las mezclas de transfección de ANic se añadieron a células para dar una concentración de ANic final de 25 nM en un volumen de 150 µl. Cada mezcla de transfección de ANic se añadió a 3 pocillos para tratamientos de ANic por triplicado. Las células se incubaron a 37°C durante 24 h en presencia continua de la mezcla de transfección de ANic. A las 24 h, se preparó el ARN a partir de cada pocillo de células tratadas. Los sobrenadantes con las mezclas de transfección se retiraron y desecharon primero, después las células se lisaron y se preparó el ARN a partir de cada pocillo. Se evaluó la expresión del gen diana después del tratamiento por RT-PCR para el gen diana y para un gen de control (36B4, una subunidad de ARN polimerasa) para su normalización. Se calculó el promedio de los datos por triplicado y se determinaron las desviaciones típicas para cada tratamiento. Los datos normalizados se representaron en una gráfica y se determinó el porcentaje de reducción del ARNm diana por los ANic activos en comparación con sus ANic de control invertidos respectivos.

Los resultados de este estudio se muestran en la **Figura 32**. Se ensayó una construcción de ANic que comprendía ribonucleótidos y protecciones de ditimidina 3'-terminales (RPI nº 31018/31094) junto con una construcción de ANic químicamente modificada que comprendía nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina y ribonucleótidos de

purina, en la que la cadena con sentido del ANic estaba modificada adicionalmente con protecciones abásicas desoxi invertidas 5'- y 3'-terminales y la cadena antisentido comprendía un enlace internucleotídico de fosforotioato 3'-terminal (RPI nº 31306/31307), que también se comparó con un control invertido de la misma química (RPI nº 31318/31319). Además, también se compararon las construcciones de ANic con células no tratadas, células transfectadas con lípido y construcciones de ANic desorganizado (Desorg. 1 y Desorg. 2) y células transfectadas sólo con lípido (control de transfección). Como se muestra en la Figura, ambas construcciones de ANic redujeron significativamente la expresión del ARN de PTP-1B. Otras químicas de estabilización adicionales como se describen en la **Tabla IV** se ensayaron de forma similar para determinar su actividad.

Ejemplo 21: Inhibición de la expresión de ARN de ERG2 mediada por iARN

Se ensayaron construcciones de ANic (**Tabla I**) para determinar su eficacia para reducir la expresión de ARN de ERG2 en, por ejemplo células DLD1. Las células se sembraron aproximadamente 24 h antes de la transfección en placas de 96 pocillos a 5.000-7.500 células/pocillo, 100 µl/pocillo, de tal manera que en el momento de la transfección las células tenían una confluencia del 70-90%. Para la transfección, los ANic hibridados se mezclaron con el reactivo de transfección (Lipofectamine 2000, Invitrogen) en un volumen de 50 µl/pocillo y se incubaron durante 20 min a temperatura ambiente. Las mezclas de transfección de ANic se añadieron a las células para dar una concentración de ANic final de 25 nM en un volumen de 150 µl. Cada mezcla de transfección de ANic se añadió a 3 pocillos para tratamientos de ANic por triplicado. Las células se incubaron a 37°C durante 24 h en presencia continua de la mezcla de transfección de ANic. A las 24 h, se preparó el ARN a partir de cada pocillo de células tratadas. Los sobrenadantes con las mezclas de transfección se retiraron y desecharon primero, después las células se lisaron y se preparó el ARN a partir de cada pocillo. Se evaluó la expresión del gen diana después del tratamiento mediante RT-PCR para el gen diana y para un gen de control (36B4, una subunidad de ARN polimerasa) para su normalización. Se calculó el promedio de los datos por triplicado y se determinaron las desviaciones típicas para cada tratamiento. Los datos normalizados se representaron en una gráfica y se determinó el porcentaje de reducción del ARNm diana por los ANic activos en comparación con sus ANic de control invertidos respectivos.

En un ejemplo no limitante, se exploraron construcciones de ANic para determinar su actividad (véase la **Figura 33**) y se compararon con células no tratadas, construcciones de control de ANic desorganizado (Desorg. 1 y Desorg. 2) y células transfectadas sólo con lípido (control de transfección). Como se muestra en la **Figura 33**, las construcciones de ANic redujeron significativamente la expresión del ARN de ERG2. Después, se ensayaron adicionalmente los candidatos generados a partir una exploración de este tipo. En un ejemplo no limitante, las construcciones de ANic que comprendían ribonucleótidos y protecciones de ditimidina 3'-terminales se ensayaron junto con una construcción de ANic químicamente modificada que comprendía nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina y ribonucleótidos de purina, en la que la cadena con sentido del ANic estaba modificada adicionalmente con protecciones abásicas desoxi invertidas 5'- y 3'-terminales y la cadena antisentido comprendía un enlace internucleotídico de fosforotioato 3'-terminal. Otras químicas de estabilización adicionales como se describen en la **Tabla IV** se ensayaron de forma similar para determinar su actividad. Estas construcciones de ANic se compararon con controles invertidos de la misma química. Además, las construcciones de ANic también se compararon con células no tratadas, células transfectadas con lípido y construcciones de ANic desorganizado y células transfectadas sólo con lípido (control de transfección). Otras químicas de estabilización adicionales como se describen en la **Tabla IV** se ensayaron de forma similar para determinar su actividad.

Ejemplo 22: Inhibición de la expresión de ARN de PCNA mediada por iARN

Se ensayaron construcciones de ANic (**Tabla I**) para determinar su eficacia para reducir la expresión de ARN de PCNA en células A549. Células A549 se sembraron aproximadamente 24 h antes de la transfección en placas de 96 pocillos a 5.000-7.500 células/pocillo, 100 µl/pocillo, de manera que en el momento de la transfección las células tenían una confluencia del 70-90%. Para la transfección, los ANic hibridados se mezclaron con el reactivo de transfección (Lipofectamine 2000, Invitrogen) en un volumen de 50 µl/pocillo y se incubaron durante 20 min a temperatura ambiente. Las mezclas de transfección de ANic se añadieron a las células para dar una concentración de ANic final de 25 nM en un volumen de 150 µl. Cada mezcla de transfección de ANic se añadió a 3 pocillos para tratamientos de ANic por triplicado. Las células se incubaron a 37°C durante 24 h en presencia continua de la mezcla de transfección de ANic. A las 24 h, se preparó el ARN a partir de cada pocillo de células tratadas. Los sobrenadantes con las mezclas de transfección se retiraron y desecharon primero, después las células se lisaron y se preparó el ARN a partir de cada pocillo. Se evaluó la expresión del gen diana después del tratamiento mediante RT-PCR para el gen diana y para un gen de control (36B4, una subunidad de ARN polimerasa) para su normalización. Se calculó el promedio de los datos por triplicado y se determinaron las desviaciones típicas para cada tratamiento. Los datos normalizados se representaron en una gráfica y se determinó el porcentaje de reducción del ARNm diana por los ANic activos en comparación con sus ANic de control invertidos respectivos.

Los resultados de este estudio se muestran en la **Figura 34**. Se ensayó una construcción de ANic que comprendía

ribonucleótidos y protecciones de ditimidina 3'-terminales (RPI nº 31035/31111) junto con una construcción de ANic químicamente modificada que comprendía nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina y ribonucleótidos de purina en la que la cadena con sentido del ANic estaba modificada adicionalmente con protecciones abásicas desoxi invertidas 5'- y 3'-terminales y la cadena antisentido comprendía un enlace internucleotídico de fosforotioato 3'-terminal (RPI nº 31310/31311), que también se comparó con un control invertido de la misma química (RPI nº 31322/31323). Además, las construcciones de ANic también se compararon con células no tratadas, células transfectadas con lípido y construcciones de ANic desorganizado (Desorg. 1 y Desorg. 2) y células transfectadas sólo con lípido (control de transfección). Como se muestra en la Figura, ambas construcciones de ANic redujeron significativamente la expresión del ARN de PCNA. Otras químicas de estabilización adicionales como se describen en la **Tabla IV** se ensayaron de forma similar para determinar su actividad.

Ejemplo 23: Indicaciones

Las moléculas de ANic de la invención pueden usarse para tratar una diversidad de enfermedades y afecciones a través de la modulación de la expresión génica. Usando los procedimientos descritos en el presente documento, pueden diseñarse moléculas de ANic modificadas químicamente para modular la expresión de cualquier número de genes diana, incluyendo, pero sin limitación, genes asociados con el cáncer, enfermedades metabólicas, enfermedades infecciosas tales como infecciones virales, bacterianas o fúngicas, enfermedades neurológicas, enfermedades musculoesqueléticas, enfermedades del sistema inmune, enfermedades asociadas con las rutas de señalización y mensajeros celulares, y enfermedades asociadas con sistemas de transporte que incluyen bombas y canales moleculares.

Los ejemplos no limitantes de diversos genes virales que pueden dirigirse usando moléculas de ARNic de la invención incluyen Virus de la Hepatitis C (VHC, por ejemplo, Nº de Acceso de Genbank: D11168, D50483.1, L38318 y S82227), Virus de la Hepatitis B (VHB, por ejemplo Nº de Acceso de Genbank AF100308.1), Virus de la Inmunodeficiencia Humana de tipo 1 (VIH-1, por ejemplo Nº de Acceso de Genbank U51188), Virus de la Inmunodeficiencia Humana de tipo 2 (VIH-2, por ejemplo Nº de Acceso de Genbank X60667), Virus del Nilo Occidental (VNO, por ejemplo Nº de Acceso de Genbank NC_001563), citomegalovirus (CMV por ejemplo Nº de Acceso de Genbank NC_001347), virus respiratorio sincitial (VRS por ejemplo Nº de Acceso de Genbank NC_001781), virus de la gripe (por ejemplo, Nº de Acceso de Genbank AF037412), rinovirus (por ejemplo, números de acceso de Genbank: D00239, X02316, X01087, L24917, M16248, K02121, X01087), papilomavirus (por ejemplo Nº de Acceso de Genbank NC_001353), Virus del Herpes Simple (VHS por ejemplo Nº de Acceso de Genbank NC_001345), y otros virus tales como VLTH (por ejemplo Nº de Acceso de Genbank AJ430458). Debido a la elevada variabilidad de secuencia de muchos genomas virales, la selección de moléculas de ARNic para amplias aplicaciones terapéuticas probablemente implicaría las regiones conservadas del genoma viral. Los ejemplos no limitantes de regiones conservadas de los genomas virales incluyen, pero sin limitación, Regiones No Codificantes (NCR) 5', Regiones No Codificantes (NCR) 3' y/o sitios internos de entrada al ribosoma (IRES). Las moléculas de ARNic diseñadas frente a regiones conservadas de diversos genomas virales permitirán la inhibición eficaz de la replicación viral en diversas poblaciones de pacientes y pueden garantizar la eficacia de las moléculas de ARNic frente a cuasiespecies virales que evolucionan debido a mutaciones en las regiones no conservadas del genoma viral.

Los ejemplos no limitantes de genes humanos que pueden dirigirse usando moléculas de ARNic de la invención usando los procedimientos descritos en el presente documento incluyen cualquier secuencia de ARN humana, por ejemplo las comúnmente indicadas por el Número de Acceso de Genbank. Estas secuencias de ARN pueden usarse para diseñar moléculas de ARNic que inhiban la expresión génica y de este modo anulan enfermedades, afecciones o infecciones asociadas con la expresión de esos genes. Dichos ejemplos no limitantes de genes humanos que pueden dirigirse usando moléculas de ARNic de la invención incluyen VEGFr (VEGFr-1 por ejemplo, Nº de Acceso de Genbank XM_067723, VEGFr-2, por ejemplo, Nº de Acceso de Genbank AF063658), HER1, HER2, HER3 y HER4 (por ejemplo, Nº de Acceso de Genbank: NM_005228, NM_004448, NM_001982 y NM_005235, respectivamente), telomerasa (TERT, por ejemplo, Nº de Acceso de Genbank NM_003219), ARN de telomerasa (por ejemplo, Nº de Acceso de Genbank U86046), NFkappaB, Rel-A (por ejemplo, Nº de Acceso de Genbank NM_005228), NOGO (por ejemplo, Nº de Acceso de Genbank AB020693), NOGO_r (por ejemplo, Nº de Acceso de Genbank XM_015620), RAS (por ejemplo, Nº de Acceso de Genbank NM_004283), RAF (por ejemplo, Nº de Acceso de Genbank XM_033884), CD20 (por ejemplo, Nº de Acceso de Genbank X07203), METAP2 (por ejemplo, Nº de Acceso de Genbank NM_003219), CLCA1 (por ejemplo, Nº de Acceso de Genbank NM_001285), fosfolambán (por ejemplo, Nº de Acceso de Genbank NM_002667), PTP1B (por ejemplo, Nº de Acceso de Genbank M31724) y otros, por ejemplo, los mostrados en la Tabla III.

La molécula de ANic de la invención también puede usarse en una diversidad de aplicaciones agrícolas que implican la modulación de la expresión de genes endógenos o exógenos en plantas usando ANic, que incluye su uso como agente insecticida, antiviral y antifúngico o la modulación de rasgos en plantas tales como perfiles de aceite y almidón y resistencia a agresiones.

Ejemplo 24: Usos de diagnóstico

Las moléculas de ANic de la invención pueden usarse en una diversidad de aplicaciones de diagnóstico tales como en la identificación de dianas moleculares (por ejemplo, ARN) en una diversidad de aplicaciones, por ejemplo, en entornos clínicos, industriales, ambientales, agrícolas y/o de investigación. Dicho uso de diagnóstico de moléculas de ANic implica la utilización de sistemas de iARN reconstituidos, usando, por ejemplo, lisados celulares o lisados celulares parcialmente purificados. Las moléculas de ANic de la presente invención pueden usarse como herramientas de diagnóstico para examinar las mutaciones y la deriva genética dentro de células enfermas, o para detectar la presencia de ARN endógeno o exógeno, por ejemplo viral, en una célula. La estrecha relación entre la actividad de ANic y la estructura del ARN diana permite la detección de mutaciones en cualquier región de la molécula, que modifica el emparejamiento de bases y la estructura tridimensional del ARN diana. Usando múltiples moléculas de ANic descritas en la presente invención, pueden mapearse cambios de nucleótidos que son importantes para la estructura y función del ARN *in vitro*, así como en células y tejidos. La escisión de los ARN diana con moléculas de ANic puede usarse para inhibir la expresión génica y definir el papel de los productos génicos especificados en la progresión de la enfermedad o infección. De este modo, pueden definirse otras dianas genéticas como mediadores importantes de la enfermedad. Estos experimentos conducirán a un mejor tratamiento de la progresión de la enfermedad permitiendo la posibilidad de terapias de combinación (por ejemplo, múltiples moléculas de ANic dirigidas a genes diferentes, moléculas de ANic acopladas con inhibidores de bajo peso molecular conocidos o tratamiento intermitente con combinaciones de moléculas de ANic y/u otras moléculas químicas o biológicas). Otros usos *in vitro* de las moléculas de ANic de la presente invención se conocen bien en la técnica e incluyen la detección de la presencia de los ARNm asociados con una enfermedad, infección o afección relacionada. Dicho ARN se detecta determinando la presencia de un producto de escisión después del tratamiento con un ANic usando metodologías convencionales, por ejemplo, transferencia por resonancia de emisión de fluorescencia (FRET).

En un ejemplo específico, se usan para el ensayo moléculas de ANic que escinden solamente formas de tipo silvestre o mutantes del ARN diana. Las primeras moléculas de ANic (es decir, las que solo escinden formas de tipo silvestre del ARN diana) se usan para identificar el ARN de tipo silvestre presente en la muestra y las segundas moléculas de ANic (es decir, las que solo escinden formas mutantes del ARN diana) se usan para identificar el ARN mutante en la muestra. Como controles de reacción, sustratos sintéticos de ARN tanto de tipo silvestre como mutante se escinden por ambas moléculas de ANic para demostrar las eficacias relativas de los ANic en las reacciones y la ausencia de escisión de las especies de ARN "no diana". Los productos de escisión de los sustratos sintéticos también sirven para generar marcadores de tamaño para el análisis de los ARN de tipo silvestre y mutante en la población de muestra. Por lo tanto, cada análisis requiere dos moléculas de ANic, dos sustratos y una muestra desconocida, que se combinan en seis reacciones. La presencia de productos de escisión se determina usando un ensayo de protección RNasa de manera que los fragmentos de longitud completa y de escisión de cada ARN pueden analizarse en un carril de un gel de poliacrilamida. No se requiere en absoluto cuantificar los resultados para hacerse una idea de la expresión de los ARN mutantes y del supuesto riesgo de los cambios fenotípicos deseados en las células diana. La expresión del ARNm cuyo producto proteico está implicado en el desarrollo del fenotipo (es decir relacionado con enfermedad o relacionado con infección) es adecuada para establecer el riesgo. Si se usan sondas de actividad específica comparable para ambos transcritos, entonces una comparación cualitativa de los niveles de ARN es adecuada y disminuye el coste del diagnóstico inicial. Proporciones más elevadas de la forma mutante con respecto a la de tipo silvestre se correlacionan con un mayor riesgo independientemente de que los niveles de ARN se comparen cualitativa o cuantitativamente.

Todas las patentes y publicaciones mencionadas en la memoria descriptiva son indicativas de los niveles de destreza de los expertos en la materia a la que pertenece la invención. Todas las referencias citadas en esta divulgación se incorporan por referencia en la misma medida que si cada referencia se hubiera incorporado por referencia en su totalidad individualmente.

Un experto en la materia apreciará fácilmente que la presente invención se adapta bien a realizar los objetos y obtener los fines y ventajas mencionados, así como los inherentes a la misma. Los procedimientos y composiciones descritos en el presente documento, como actualmente representativos de realizaciones preferidas, son ilustrativos y no pretenden limitar el ámbito de la invención. A los expertos en la materia se les ocurrirán cambios en la misma y otros usos, que se incluyen dentro del espíritu de la invención y se definen por el alcance de las reivindicaciones.

Para un experto en la materia será fácilmente evidente que pueden realizarse sustituciones y modificaciones variables en la invención desvelada en el presente documento sin alejarse del ámbito y espíritu de la invención. Por lo tanto, dichas realizaciones adicionales se encuentran dentro del ámbito de la presente invención y de las reivindicaciones siguientes. La presente invención enseña a un experto en la materia a ensayar diversas combinaciones y/o sustituciones de modificaciones químicas descritas en el presente documento hacia la generación de construcciones de ácidos nucleicos con una actividad mejorada para mediar la actividad de iARN.

Dicha actividad mejorada puede comprender una estabilidad mejorada, una biodisponibilidad mejorada y/o una activación mejorada de las respuestas celulares que median la iARN. Por lo tanto, las realizaciones específicas descritas en el presente documento no son limitantes y un experto en la materia puede apreciar fácilmente que pueden ensayarse combinaciones específicas de las modificaciones descritas en el presente documento sin una experimentación excesiva hacia la identificación de moléculas de ANic con una actividad de iARN mejorada.

La invención descrita de manera ilustrativa en el presente documento puede llevarse a la práctica adecuadamente en ausencia de cualquier elemento o elementos, limitación o limitaciones que no se desvelan específicamente en el presente documento. Por lo tanto, por ejemplo, en cada caso en el presente documento cualquiera de las expresiones "que comprende", "que consiste esencialmente en" y "que consiste en" puede sustituirse con cualquiera de las otras dos expresiones. Los términos y expresiones que se han empleado se usan como términos de descripción y no de limitación, y no se pretende que en el uso de dichos términos y expresiones se excluya ningún equivalente de las características mostradas y descritas o partes de las mismas, aunque se reconoce que, dentro del ámbito de la invención reivindicada, son posibles diversas modificaciones. Por lo tanto, debe entenderse que aunque se ha desvelado específicamente la presente invención mediante realizaciones preferidas, los expertos en la materia pueden recurrir a características opcionales, modificaciones o variaciones de los conceptos desvelados en el presente documento, y se considera que dichas modificaciones y variaciones están dentro del ámbito de la presente invención como se define por la descripción y las reivindicaciones adjuntas.

Además, aunque las características o aspectos de la invención se describen en términos de grupos de Markush u otro agrupamiento de alternativas, los expertos en la materia reconocerán que la invención también se describe de este modo en términos de cualquier miembro individual o subgrupo de miembros del grupo de Markush u otro grupo.

Tabla I

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
ABCB1	118	CAUUCUCCUGGAAAUUCAACCU	1	con sentido	30937	ABCB1:120U21 ARNip stab04	B uuccuccuGGAAAUuucAAcTT B	186
ABCB1	618	UUCUUCUCAUGAUGCUGGUGUUU	2	con sentido	30938	ABCB1:620U21 ARNip stab04	B ccucucAuGAUGcUGuGuTT B	187
ABCB1	1867	CACGAUAGCUGAAAAACAUCGCU	3	con sentido	30939	ABCB1:1869U21 ARNip stab04	B cGAuAGcuGAAAAcAuucGTT B	188
ABCB1	2334	AAAAUGCAGCUGAUGAAUCCAAA	4	con sentido	30940	ABCB1:2336U21 ARNip stab04	B AAuGcAGcuGAuGAAuccATT B	189
ABCB1	118	CAUUCUCCUGGAAAUUCAACCU	1	antisentido	30941	ABCB1:138L21 ARNip (120C) stab05	GuuGAAuuuccAGGAGGAATsT	190
ABCB1	618	UUCUUCUCAUGAUGCUGGUGUUU	2	antisentido	30942	ABCB1:638L21 ARNip (620C) stab05	AcAccAGcAucAuGAGAGGTsT	191
ABCB1	1867	CACGAUAGCUGAAAAACAUCGCU	3	antisentido	30943	ABCB1:1887L21 ARNip (1869C) stab05	cGAAUGuuuuucAGcuAucGTsT	192
ABCB1	2334	AAAAUGCAGCUGAUGAAUCCAAA	4	antisentido	30944	ABCB1:2354L21 ARNip (2336C) stab05	uGGAuucAucAGcuGcAuuTsT	193
ABCB1	118	CAUUCUCCUGGAAAUUCAACCU	1	con sentido	31013	ABCB1:120U21 ARNip	UUCUCCUGGAAAUUCAACTT	194
ABCB1	618	UUCUUCUCAUGAUGCUGGUGUUU	2	con sentido	31014	ABCB1:620U21 ARNip	CCUCUCAUGAUGCUGGUGUTT	195
ABCB1	1867	CACGAJAGCUGAAAAACAUCGCU	3	con sentido	31015	ABCB1:1869U21 ARNip	CGAUAGCUGAAAAcAUUCGTT	196
ABCB1	2334	AAAAUGCAGCUGAUGAAUCCAAA	4	con sentido	31016	ABCB1:2336U21 ARNip	AAUGCAGCUGAUGAAUCCATT	197

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
ABCB1	118	CAUUCUCCUGGAAAAUUCACCU	1	antisentido	31089	ABCB1:138L21 ARNip (120C)	GUUGAAUUUCCAGGAGGAATT	198
ABCB1	618	UUCUCUCAUGAUGCUGGUGUUU	2	antisentido	31090	ABCB1:638L21 ARNip (620C)	ACACCAGCAUCAUGAGAGGTT	199
ABCB1	1867	CACGAUAGCUGAAAAACAUUCGCU	3	antisentido	31091	ABCB1:1887L21 ARNip (1869C)	CGAAUGUUUUCAGCUAUCGTT	200
ABCB1	2334	AAAUGCAGCUGAUGAAUCCAAA	4	antisentido	31092	ABCB1:2354L21 ARNip (2336C)	UGGAUUCAUCAGCUGCAUUTT	201
ADORA1	919	AGUUCGAGAAAGGUCAUCAGCAUG	5	con sentido	30721	ADORA1:921U21 ARNip stab04	B uucGAGAAGGucAucAGcATT B	202
ADORA1	1621	GACCAGGUGUCUAGAGGCAACAG	6	con sentido	30722	ADORA1:1623U21 ARNip stab04	B ccAGGGuGucuAGAGGcAAcTT B	203
ADORA1	1819	GGACCAAGCUUUAAGGAGAGGAGA	7	con sentido	30723	ADORA1:1821U21 ARNip stab04	B AccAAAGcuuMGGAGAGGA TT 8	204
ADORA1	2773	GUCCGUUGACCUUCUCUGAACAUCA	8	con sentido	30724	ADORA1:2775U21 ARNip stab04	B cGGGuuGAccuuucuGAAcAuTT B	205
ADORA	919	AGUUCGAGAAAGGUCAUCAGCAUG	5	antisentido	30725	ADORA1:939L21 ARNip (921 C) stab05	uGcuGAUGAccuuucuGAAATsT	206
ADORA1	1621	GACCAGGUGUCUAGAGGCAACAG	6	antisentido	30726	ADORA1:1641L21 ARNip (1623C) stab05	GuuGccucuAGAcAccuGGTsT	207

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
ADORA1	1819	GGACCAAGCUUAAAGGAGAGGAGA	7	antisentido	30727	ADORA1:1839L21 ARNip (1821 C) stab05	uccuuccuuAAAGcuuGGuTsT	208
ADORA1	2773	GUCGGUUGACCUUCUGAACCAUGA	8	antisentido	30728	ADORA1:2793L21 ARNip (2775C) stab05	AuGuucAGAAAGGucAAccGTsT	209
ADORA1	919	AGUUCGAGAAGGUCAUCAGCAUG	5	con sentido	31041	ADORA1:921U21 ARNip	UUCGAGAAAGGUCAUCAGCATT	210
ADORA1	1621	GACCAGGUGUCUAGAGGCAACAG	6	con sentido	31042	ADORA1:1623U21 ARNip	CCAGGUGUCUAGAGGCAACTT	211
ADORA1	1819	GGACCAAGCUUAAAGGAGAGGAGA	7	con sentido	31043	ADORA1:1821U21 ARNip	ACCAAGCUUAAAGGAGAGGATT	212
ADORA1	2773	GUCGGUUGACCUUCUGAACCAUGA	8	con sentido	31044	ADORA1:2775U21 ARNip	CGGUUGACCUUCUGAACCAUTT	213
ADORA1	919	AGUUCGAGAAGGUCAUCAGCAUG	5	antisentido	31117	ADORA1:939L21 ARNip (921C)	UGCUGAUGACCUUCUCGAATT	214
ADORA1	1621	GACCAGGUGUCUAGAGGCAACAG	6	antisentido	31118	ADORA1:1641121 ARNip (1623C)	GUUGCCUCUAGACACCUUGGTT	215
ADORA1	1819	GGACCAAGCUUAAAGGAGAGGAGA	7	antisentido	31119	ADORA1:1839L21 ARNip (1821 C)	UCCUCUCCUUAAGCUUUGGUTT	216
ADORA1	2773	GUCGGUUGACCUUCUGAACCAUGA	8	antisentido	31120	ADORA1:2793L21 ARNip (2775C)	AUGUUCAGAAGGUCAACCGTT	217
b2a2	283	UGACCAUCAAUAAAGGAAGGCC	9	con sentido	31594	b2a2:283U21 ARNip	ACCAUCAAUAAAGGAAGGATr	218

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
b2a2	286	CCAUCAAUAGGAAGAGCCCUU	10	con sentido	31595	b2a2:286U21 ARNip	AUCAUUAAGGAAGAGCCCTT	219
b2a2	282	CUGACCAUCAUAAGGAAGAGC	11	con sentido	31596	b2a2:282U21 ARNip	GACCAUCAUAUAGGAAGAATr	220
b2a2	290	CAUUAAGGAAGAGCCCUUCAGC	12	con sentido	31597	b2a2:290U21 ARNip	AUAAGGAAGAGCCCUUCATr	221
b2a2	301	UGACCAUCAUAAGGAAGAGCC	9	antisentido	31598	b2a2:301L21 ARNip (283C)	CUUCUCCUUAUUGAUGGUTT	222
b2a2	304	CCAUCAAUAGGAAGAGCCCUU	10	antisentido	31599	b2a2:304L21 ARNip (286C)	GGGCUUCUCCUUAUUGAUTT	223
b2a2	300	CUGACCAUCAUAAGGAAGAGC	11	antisentido	31600	b2a2:300L21 ARNip (282C)	UUCUUCUUAUUGAUGGUCTT	224
b2a2	308	CAUUAAGGAAGAGCCCUUCAGC	12	antisentido	31601	b2a2:308L21 ARNip (290C)	UGAAGGGCUUCUCCCUUAUTT	225
b3a2	356	UGGAUUUAAGCAGAGUUCAAAAAG	13	con sentido	31602	b3a2:356U21 ARNip	GAUUUAAGCAGAGUUCAAAAATT	226
b3a2	365	GCAGAGUUCAAAAAGCCCUUCAGC	14	con sentido	31603	b3a2:365U21 ARNip	AGAGUUCAAAAAGCCCUUCATT	227
b3a2	364	AGCAGAGUUCAAAAAGCCCUUCAG	15	con sentido	31604	b3a2:364U21 ARNip	CAGAGUUCAAAAAGCCCUUCTT	228
b3a2	357	GGAUUUUAAGCAGAGUUCAAAAAGC	16	con sentido	31605	b3a2:357U21 ARNip	AUUUAAGCAGAGUUCAAAAATT	229

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
b3a2	374	UGGAUUUAAGCAGAGUUUCAAAG	13	antisentido	31606	b3a2:374L21 ARNip (356C)	UUUGAACUCUCUGCUUAAAUCTT	230
b3a2	383	GCAGAGUUCAAAAAGCCCUUCAGC	14	antisentido	31607	b3a2:383L21 ARNip (365C)	UGAAGGGCUUUUGAACUCUCUTT	231
b3a2	382	AGCAGAGUUCAAAAAGCCCUUCAG	15	antisentido	31608	b3a2:382L21 ARNip (364C)	GAAGGGCUUUUGAACUCUCUTT	232
b3a2	375	GGAUUUUAAGCAGAGUUUCAAAGC	16	antisentido	31609	b3a2:375L21 ARNip (357C)	UUUUGAACUCUCUGCUUAAAUTT	233
BACE	1490	AAUGGGUGAGGUUACCAACCAGU	17	con sentido	30729	BACE:1492U21 ARNip stab04	B uGGGuGAGGuuAccAAccATT B	234
BACE	1753	UCACCUUGGACAUUGGAAGACUGU	18	con sentido	30730	BACE:1755U21 ARNip stab04	B AccuuGGAcAuGGAAAGAcuTT B	235
BACE	3583	UAUGGGACCUGCUAAGUGUGGAA	19	con sentido	30732	BACE:3585U21 ARNip stab04	B uGGGAccuGcuAAGuGuGGTT B	236
BACE	1490	AAUGGGUGAGGUUACCAACCAGU	17	antisentido	30733	BACE:1510L21 ARNip (1492C) stab05	uGGGuGGuAAccuAcccATsT	237
BACE	1753	UCACCUUGGACAUUGGAAGACUGU I	18	antisentido	30734	BACE:1773L21 ARNip (1755C) stab05	AGucuuuccAuGuccAAAGGuTsT	238
BACE	3583	UAUGGGACCUGCUAAGUGUGGAA	19	antisentido	30736	BACE:3603L21 ARNip (3585C) stab05	ccAcAuuuAGcAGGuucccATsT	239
BACE	1490	AAUGGGUGAGGUUACCAACCAGU	17	con sentido	31005	BACE:1492U21 ARNip	UGGGUGAGGUUUAACCAACCATT	240

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
BACE	1753	UCACCUUGGACAUGGAAGACUGU	18	con sentido	31006	BACE:1755U21 ARNip	ACCUUGGACAUGGAAGACUTT	241
BACE	2457	CCUAACAUUGGUGCAAAGAUUGC	20	con sentido	31007	BACE:2459U21 ARNip	UAACAUUGGUGCAAAGAUU17	242
BACE	3583	UAUGGGACCUUGCUAAGUGUGGAA	19	con sentido	31008	BACE:3585U21 ARNip	UGGGACCUUGCUAAGUGUGGTT	243
BACE	1490	AAUGGGUGAGGUUACCAACCCAGU	17	antisentido	31081	BACE:1510L21 ARNip (1492C)	UGGUUGGUAACCUACCCCA17	244
BACE	1753	UCACCUUGGACAUGGAAGACUGU	18	antisentido	31082	BACE:1773121 ARNip (1755C)	AGUCUUCCAUGUCCAAGGU1T	245
BACE	2457	CCUAACAUUGGUGCAAAGAUUGC	20	antisentido	31083	BACE:2477L21 ARNip (2459C)	AAUCUUUGCACCACCAUUGUUATT	246
BACE	3583	UAUGGGACCUUGCUAAGUGUGGAA	19	antisentido	31084	BACE:3603L21 ARNip (3585C)	CCACACUUAGCAGGUCCCATTT	247
BACE	2457	CCUAACAUUGGUGCAAAGAUUGC	20	con sentido	31378	BACE:2459U21 ARNip stab04	B uAAcAuuGGuGcAAAAGAUuTT B	248
BACE	2457	CCUAACAUUGGUGCAAAGAUUGC	20	antisentido	31381	BACE:2477L21 ARNip (2459C) stab05	AAucuuuGcAccAAuGuuATsT	249
BACE	2457	CCUAACAUUGGUGCAAAGAUUGC	20	con sentido	31384	BACE:2459U21 ARNip stab07	B uAAcAuuGGuGcAAAAGAUuTT B 250	250
BACE	2457	CCUAACAUUGGUGCAAAGAUUGC	20	antisentido	31387	BACE:2477L21 ARNip (2459C) stab11	AAucuuuGcAccAAuGuuATsT	251

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
BACE	2457	CCUAACAUUGGUGGCAAAAGAUUGC	20	con sentido	31390	BACE:2459U21 ARNip inv stab04	B uuAGAAAcGuGGuuAcAAuTT B	252
BACE	2457	CCUAACAUUGGUGGCAAAAGAUUGC	20	antisentido	31393	BACE:2477L21 ARNip (2459C) inv stab05	AuuGuAAccAcGuuucuAATsT	253
BACE	2457	CCUAACAUUGGUGGCAAAAGAUUGC	20	con sentido	31396	BACE:2459U21 ARNip inv stab07	B uuAGAAAcGuGGuuAcAAuTT B	254
BACE	2457	CCUAACAUUGGUGGCAAAAGAUUGC	20	antisentido	31399	BACE:2477L21 ARNip (2459C) inv stab11	AuuGuAAccAcGuuucuAATsT	255
BCL2	2098	UGGCUGUCUCUGAAGACUCUCUCU	21	con sentido	30737	BCL2:2100U21 ARNip stab04	B GcuGucucuGAAGAcucuGTT B	256
BCL2	4426	CUUUACGUGGCCUGUUUCAACAC	22	con sentido	30739	BCL2:4428U21 ARNip stab04	B uuAcGuGGccuGuuucAAcTT B	257
BCL2	6231	AGUUUGAUCAGGGAGUUGGAAG	23	con sentido	30740	BCL2:6233U21 ARNip stab04	B uuUGAucAGGGAGuuGGATT B	258
BCL2	2098	UGGCUGUCUCUGAAGACUCUCUCU	21	antisentido	30741	BCL2:2118L21 ARNip (2100C) stab05	cAGAGuuucAGAGAcGcTsT	259
BCL2	4426	CUUUACGUGGCCUGUUUCAACAC	22	antisentido	30743	BCL2:4446L21 ARNip (4428C)	GuuGAAAcAGGccAcGuAAATsT	260
BCL2	6231	AGUUUGAUCAGGGAGUUGGAAG	23	antisentido	30744	BCL2:6251 L21 ARNip (6233C) stab05	uccAAucccuGAuccAAATsT	261
BCL2	2098	UGGCUGUCUCUGAAGACUCUCUCU	21	con sentido	30997	BCL2:2100U21 ARNip	GCUGUCUCUGAAGACUCUCGTT	262

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
BCL2	3220	CAGGGAUGAUC AACAGGGUAGUG	24	con sentido	30998	BCL2:3222U21 ARNip	GGGAUGAUC AACAGGGUAGTT	263
BCL2	4426	CUUUACGUGGCCUGUUUCAACAC	22	con sentido	30999	BCL2:4428U21 ARNip	UUACGUGGCCUGUUUCAACTT	264
BCL2	6231	AGUUUGGAUCAGGGAGUUGGAAG	23	con sentido	31000	BCL2:6233U21 ARNip	UUUGGAUCAGGGAGUUGGATT	265
BCL2	2098	UGGCUGUCUCUGAAGACUCUCUGU	21	antisentido	31073	BCL2:2118L21 ARNip (2100C)	CAGAGUCUUCAGAGACAGCTT	266
BCL2	3220	CAGGGAUGAUC AACAGGGUAGUG	24	antisentido	31074	BCL2:3240L21 ARNip (3222C)	CUACCCUGUUGAUC AUCCCTT	267
BCL2	4426	CUUUACGUGGCCUGUUUCAACAC	22	antisentido	31075	BCL2:4446L21 ARNip (4428C)	GUUGAAACAGGCCACGUAATr	268
BCL2	6231	AGUUUGGAUCAGGGAGUUGGAAG	23	antisentido	31076	BCL2:6251 L21 ARNip (6233C)	UCCAACUCCUGAUCCAAATf	269
BCL2	3220	CAGGGAUGAUC AACAGGGUAGUG	24	con sentido	31368	BCL2:3222U21 ARNip stab04	B GGGAUGAUC AACAGGGUGATT B	270
BCL2	3220	CAGGGAUGAUC AACAGGGUAGUG	24	antisentido	31369	BCL2:3240L21 ARNip (3222C) stab05	cuAccuGuuGAucAucccTsT	271
BCL2	3220	CAGGGAUGAUC AACAGGGUAGUG	24	con sentido	31370	BCL2:3222U21 ARNip inv stab04	B GAUGGGAcAAcuAGuAGGGTT B	272
BCL2	3220	CAGGGAUGAUC AACAGGGUAGUG	24	antisentido	31371	BCL2:3240L21 ARNip (3222C) inv	cccuAcuAGuuGucccAucTsT	273

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
BCL2	3220	CAGGGAUGAUAACACAGGGUAGUG	24	con sentido	31372	BCL2:3222U21 ARNip stab07	B GGGAUcAucAAcAGGGGuAGTT B	274
BCL2	3220	CAGGGAUGAUAACACAGGGUAGUG	24	antisentido	31373	BCL2:3240L21 ARNip (3222C) stab11	cuAcccuGuuGauAucAuccTsT	275
BCL2	3220	CAGGGAUGAUAACACAGGGUAGUG	24	con sentido	31374	BCL2:3222U21 ARNip inv stab07	B GAUGGGAcAAcuAGuAGGGTT B	276
BCL2	3220	CAGGGAUGAUAACACAGGGUAGUG	24	antisentido	31375	BCL2:3240L21 ARNip (3222C) inv stab11	cccuAcuAGuuGucccAucTsT	277
CCND1	1628	GCUGUAGUGGGGUUCUAGGCAUC	25	con sentido	30746	CCND1:1628U21 ARNip stab04	B uGuAGuGGGGGuucAGGcArr B	278
CCND1	2617	ACACACAAACCUUCUGCCUUUGA	26	con sentido	30747	CCND1:2617U21 ARNip stab04	B AcAcAAAAccuucGccuuuTT B	279
CCND1	3124	UCACAUUUGUUUGCUGCUAUUGGA	27	con sentido	30748	CCND1:3124U21 ARNip stab04	B AcAuuGuuuGcuGcuAuuGTT B	280
CCND1	1646	GCUGUAGUGGGGUUCUAGGCAUC	25	antisentido	30750	CCND1:1646L21 ARNip (1628C) stab05	uGccuAGAAcccccAcuAcATsT	281
CCND1	2635	ACACACAAACCUUCUGCCUUUGA	26	antisentido	30751	CCND1:2635L21 ARNip (2617C) stab05	AAAGGcAGAAGGuuuGuGuTsT	282
CCND1	3142	UCACAUUUGUUUGCUGCUAUUGGA	27	antisentido	30752	CCND1:3142L21 ARNip (3124C) stab05	cAAuAGcAGcAAAcAAuGuTsT	283
CCND1	695	GAACACUUCUCCUCUCCAAAUUGCC	28	con sentido	31009	CCND1:695U21 ARNip	ACACUUCUCCUCUCCAAAUUGTT	284

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
CCND1	1628	GCUGUAGUGGGGUUCUAGGCAUC	25	con sentido	31010	CCND1:1628U21 ARNip	UGUAGUGGGGUUCUAGGCA1T	285
CCND1	2617	ACACACAAACCUUCUGCCUUUGA	26	con sentido	31011	CCND1:2617U21 ARNip	ACACAAACCUUCUGCCUUUTT	286
CCND1	3124	UCACAUUGUUUGCUGCUAUUGGA	27	con sentido	31012	CCND1:3124U21 ARNip	ACAUUGUUUGCUGCUAUUGTT	287
CCND1	713	GAACACUUCUCUCUCCAAAAUGCC	28	antisentido	31085	CCND1:793L21 ARNip (695C)	CAUUUUGGAGAGGAAGUGUTT	288
CCND	1646	GCUGUAGUGGGGUUCUAGGCAUC	25	antisentido	31086	CCND1:1646L21 ARNip (1628C)	UGCCUAGAACCCACUACATT	289
CCND1	2635	ACACACAAACCUUCUGCCUUUGA	26	antisentido	31087	CCND1:2635L21 ARNip (2617C)	AAAGGCAGAGGUUUUGUGUTT	290
CCND1	3142	UCACAUUGUUUGCUGCUAUUGGA	27	antisentido	31088	CCND1:3142L21 ARNip (3124C)	CAAUAGCAGCAAAACAUGUTIf	291
CCND1	695	GAACACUUCUCUCUCCAAAAUGCC	28	con sentido	31304	CCND1:695U21 ARNip stab04	B AcAcuuccuuccAAAAuGTT B	292
CCND1	695	GAACACUUCUCUCUCCAAAAUGCC	28	con sentido	31304	CCND1:695U21 ARNip stab04	B AcAcuuccuuccAAAAuGTT B	292
CCND1	695	GAACACUUCUCUCUCCAAAAUGCC	28	con sentido	31304	CCND1:695U21 ARNip stab04	B AcAcuuccuuccAAAAuGTT B	292
CCND1	713	GAACACUUCUCUCUCCAAAAUGCC	28	antisentido	31305	CCND1:713L21 ARNip (695C) stab05	cAuuuuGGAGAGGAAGuGuTsT	293

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
CCND1	713	GAACACUUCUCCUCCUCCAAUAGCC	28	antisentido	31305	CCND1:713L21 ARNip (695C) stab05	cAuuuuGGAGAGGAAAGuGuTsT	293
CCND1	695	GAACACUUCUCCUCCUCCAAUAGCC	28	con sentido	31316	CCND1:695U21 ARNip Inv stab04	B GuAAAAaccucuccuucAcATT B	294
CCND1	713	GAACACUUCUCCUCCUCCAAUAGCC	28	antisentido	31317	CCND1:713L21 ARNip (695C) inv	uGuGAAGGAGAGGuuuuAcTsT	295
CDK2	344	CUGGACACUGAGACUGAGGGUGU J	29	con sentido	31565	CDK2:344U21 ARNip	GGACACUGAGACUGAGGGUIT	296
CDK2	654	CCAUCAAGCUAGCAGACUUGGA	30	con sentido	31566	CDK2:654U21 ARNip	AUCAAGCUAGCAGACUUGTT	297
CDK2	1245	CACUCACCUUCUAGUCUUGGCCA	31	con sentido	31567	CDK2:1245U21 ARNip	CUCACCUUCUAGUCUUGGCTT	298
CDK2	1428	ACACGUUAGAUUUGCCGUACCAA	32	con sentido	31568	CDK2:1428U21 ARNip	ACGUUAGAUUUGCCGUACCTT	299
CDK2	362	CUGGACACUGAGACUGAGGGUGU	29	antisentido	31569	CDK2:362L21 ARNip (344C)	ACCCUCAGUCUCAGUGUCCTT	300
CDK2	672	CCAUCAAGCUAGCAGACUUGGA	30	antisentido	31570	CDK2:672L21 ARNip (654C)	CAAAGUCUGCUAGCUUGAUTT	301
CDK2	1263	CACUCACCUUCUAGUCUUGGCCA	31	antisentido	31571	CDK2:1263L21 ARNip (1245C)	GCCAAGACUAGAAGGUGAGTT	302
CDK2	1446	ACACGUUAGAUUUGCCGUACCAA	32	antisentido	31572	CDK2:1446L21 ARNip (1428C)	GGUACGGCAAAUCUAAACGUTT	303

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
CHEK1	369	UAUGGUCACAGGAGAGAAGGCAA	33	con sentido	30753	CHEK1:371U21 ARNip stab04	B uGGucAcAGGAGAGAAAGGcTT B	304
CHEK1	1349	UGAGAAGUUUGGGCUAUCAAUGGA	34	con sentido	30754	CHEK1:1351U21 ARNip stab04	B AGAAGuuGGGcuAucAAuGTT B	305
CHEK1	1878	GUUUCAGGGGACAUAGAGUUUUUCC	35	con sentido	30756	CHEK1:1880U21 ARNip stab04	B uuAGGGGGAuAGAGuuuuTT B	306
CHEK1	369	UAUGGUCACAGGAGAGAAGGCAA	33	antisentido	30757	CHEK1:389L21 ARNip (371C) stab05	GccuuucucuccuGuGAccATsT	307
CHEK1	1349	UGAGAAGUUUGGGCUAUCAAUGGA	34	antisentido	30758	CHEK1:1369L21 ARNip (1351C) stab05	cAuuGAuAGcccAAcuuucTsT	308
CHEK1	1878	GUUUCAGGGGACAUAGAGUUUUUCC	35	antisentido	30760	CHEK1:1898L21 ARNip (1880C) stab05	AAAAAcucAuGuccccuGAATsT	309
CHEK1	369	UAUGGUCACAGGAGAGAAGGCAA	33	con sentido	31001	CHEK1:371U21 ARNip	UGGUCACAGGAGAGAAAGGcTT	310
CHEK1	1349	UGAGAAGUUUGGGCUAUCAAUGGA	34	con sentido	31002	CHEK1:1351U21 ARNip	AGAAGUUGGGCUAUCAAUGTT	311
CHEK1	1490	UAAGGGUGAUGGAUUGGAGUUCA	36	con sentido	31003	CHEK1:1492U21 ARNip	AGGGUGAUGGAUUGGAGUUUTT	312
CHEK1	1878	GUUUCAGGGGACAUAGAGUUUUUCC	35	con sentido	31004	CHEK1:1880U21 ARNip	UUCAGGGGACAUAGAGUUUUUTT	313
CHEK1	369	UAUGGUCACAGGAGAGAAGGCAA	33	antisentido	31077	CHEK1:389L21 ARNip (371 C)	GCCUUCUCCUUGUGACCATr	314

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
CHEK1	1349	UGAGAAUUUGGCUAUCAAUGGA	34	antisentido	31078	CHEK1:1369L21 ARNip (1351C)	CAUUGAUAGCCCCAACUUCUTT	315
CHEK1	1490	UAAGGGUGAUGGAUUGGAGUUUCA	36	antisentido	31079	CHEK1:1510L21 ARNip (1492C)	AACUCCAUAUCCAUACCCUTT	316
CHEK1	1878	GUUUCAGGGGACAUAGAUUUUCC	35	antisentido	31080	CHEK1:1898L21 ARNip (1880C)	AAACUCUAUGUCCCCUGAATT	317
CHEK1	1490	UAAGGGUGAUGGAUUGGAGUUUCA	36	con sentido	31302	CHEK1:1492U21 ARNip stab04	B AGGGUGAUuGGAuGGGuuTT B	318
CHEK1	1490	UAAGGGUGAUGGAUUGGAGUUUCA	36	antisentido	31303	CHEK1:1510L21 ARNip (1492C) stab05	AAuccAAuccAuccAuccuTsT	319
CHEK1	1490	UAAGGGUGAUGGAUUGGAGUUUCA	36	con sentido	31314	CHEK1:1492U21 ARNip inv stab04	B uuGAGGuuAGGuAGuGGGATT B	320
CHEK1	1490	UAAGGGUGAUGGAUUGGAGUUUCA	36	antisentido	31315	CHEK1:1510L21 ARNip (1492C) inv	ucccAcuAuccuAAccuCAATsT	321
EGFR	3828	UAACCUCGUACUGGUGCCU	37	con sentido	25227	RPI 21550 EGFR 3830L23 AS como ARNip Cad 1 (con sentido)	B UAAACCUCGUACUGGUGCCUCC B	322
EGFR		ACCUCGUACUGGUGCCUCC	38	antisentido	25228	RPI 21550 EGFR 3830L23 AS como ARNip Cad 2 (antisentido)	B GGAGGCACCAGUACGAGGUUA B	323

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
EGFR		AUUGGGGAUCUUGGAGUUU	39	antisentido	25229	RPI 21549 EGFR como ARNip Cad 2 (antisentido)	B AAACUCCAAGAUCUCCCCAAUCA B	324
EGFR		UGAUUGGGGAUCUUGGAGU	40	con sentido	25230	RPI 21549 EGFR 3 como ARNip Cad 1 (con sentido)	B UGAUUGGGGAUCUUGGAGUUU B	325
EGFR		GAAAUACACAGGGUUUUUGC	41	antisentido	25233	RPI 21545 EGFR como ARNip Cad 2 (antisentido)	B GCAAAAAACCCUGUGAUUUUCCU B	326
EGFR		AGGAAAUACACAGGGUUUUUU	42	con sentido	25234	RPI 21545 EGFR como ARNip Cad 1 (con sentido)	B AGGAAAUACACAGGGUUUUUUGC B	327
EGFR		ACUGCCAGAAACUGACCAA	43	antisentido	25235	RPI 21543 EGFR como ARNip Cad 2 (antisentido)	B UUUGGUCAGUUUCUGGCAGUUC B	328
EGFR		GAACUGCCAGAAACUGACC	44	con sentido	25236	RPI 21543 EGFR como ARNip Cad 1 (con sentido)	B GAACUGCCAGAAACUGACCAA B	329
EGFR	3828	ACCUCGUACUGGUGCCUCC	38	con sentido	25249	RPI 21550 EGFR 3830L23 AS como ARNip Cad 1 (con sentido) Control Invertido	B CCUCCGUGGUGAUGCUCCAUAU B	330

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
EGFR	3828	AGGCACCAGUACGAGGUUA	45	con sentido	25250	RPI 21550 EGFR 3830L23 AS como ARNip Cad 1 (con sentido) Complemento de Control Invertido	B AUUGGAGCAUGACCACGGAGG B	331
EGFR	3828	UAACCUCGUACUGGUGCCU	37	con sentido	25804	RPI 21550 EGFR 3830L23 AS como ARNip Cad 1 (con sentido) + saliente 2U	UAACCUCGUACUGGUGCCUCCUU	332
EGFR		ACCUCGUACUGGUGCCUCC	38	antisentido	25805	RPI 21550 EGFR 3830L23 AS como ARNip Cad 2 (antisentido) + saliente 2U	GGAGGCACCAGUACGAGGUUAUU	333
EGFR		AUUGGGGAUCUUGGAGUUU	39	antisentido	25806	RPI 21549 EGFR como ARNip Cad 2 (antisentido)+ saliente 2U	AAACUCCAAGAUCCCAAUCAUU	334
EGFR		UGAUUGGGGAUCUUGGAGU	40	con sentido	25807	RPI 21549 EGFR 3 como ARNip Cad 1 (con sentido)+ saliente 2U	UGAUUGGGGAUCUUGGAGUUUUU	335
EGFR		GAAAUACACAGGGUUUUUGC	41	antisentido	25810	RPI 21545 EGFR como ARNip Cad 2 antisentido)+ saliente 2U	GCAAAAACCCUGUGAUUUUCCUUU	336

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
EGFR		AGGAAAUACACAGGGUUUUU	42	con sentido	25811	RPI 21545 EGFR como ARNip Cad 1 (con sentido)+ saliente 2U	AGGAAAUACACAGGGUUUUUGCUU	337
EGFR		ACUGCCAGAAACUGACCAA	43	antisentido	25812	RPI 21543 EGFR como ARNip Cad 2 (antisentido) + saliente 2U	UUUGGUCAGUUUCUGGCAGUUCUU	338
EGFR		GAACUGCCAGAAACUGACC	44	con sentido	25813	RPI 21543 EGFR como ARNip Cad 1 (con sentido)+ saliente 2U	GAACUGCCAGAAACUGACCAAUU	339
EGFR	3828	UAACCUCGUACUGGUGCCU	37	con sentido	25824	RPI 21550 EGFR 3830L23 AS como ARNip Cad (con sentido) + saliente 2U	B UAACCUUGUACUGGUGGCCUCCUU B	340
EGFR		ACCUCGUACUGGUGCCUCC	38	antisentido	25825	RPI 21550 EGFR 3830L23 AS como ARNip Cad 2 (antisentido) + saliente 2U	B GGAGGCACACAGGAGGUUAUU B	341
EGFR		AUUGGGGAUCUUGGAGUUU	39	antisentido	25826	RPI 21549 EGFR como ARNip Cad 2 (antisentido)+ saliente 2U	B AAACUCCAAGAUAUCCCCCAUAUU B	342
EGFR		UGAUUGGGGAUCUUGGAGU	40	con sentido	25827	RPI 21549 EGFR 3 como ARNip Cad 1 (con sentido)+ saliente 2U	B UGAUUGGGGAUCUUGGAGUUUUU B	343

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
EGFR		GAAAUACACAGGGUUUUUGC	41	antisentido	25830	RPI 21545 EGFR como ARNip Cad 2(antisentido)+ saliente 2U	B GCAAAAACCCUGUGAUUUUCCUUU B	344
EGFR		AGGAAAUACACAGGGUUUUU	42	con sentido	25831	RPI 21545 EGFR como ARNip Cad 1 (con sentido) + saliente 2U	B AGGAAAUACACAGGGUUUUUGCUU B	345
EGFR		ACUGCCAGAAACUGACCAA	43	antisentido	25832	RPI 21543 EGFR como ARNip Cad 2 (antisentido)+ saliente 2U	B UUUGGUCAGUUUUCUGGAGUUUCUU B	346
EGFR		GAACUGCCAGAAACUGACC	44	con sentido	25833	RPI 21543 EGFR como ARNip Cad 1 (con sentido)+ saliente 2U	B GAACUGCCAGAAACUGACCAUUU B	347
EGFR	799	GAACUGCCAGAAACUGACC	44	con sentido	30705	EGFR:801U21 ARNip stab04	B GAAAcuGccAGAAAcuGAccTT B	348
EGFR	1380	AGGAAAUACACAGGGUUUUU	42	con sentido	30706	EGFR:1382U21 ARNip stab04	B AGGAAAUAcAcAGGGUUuuuuTT B	349
EGFR	3064	GUUCCGUGAGUUGAUCAUC	46	con sentido	30707	EGFR:3066U21 ARNip stab04	B GuuuccGuGAGuuGAcAucATT B	350
EGFR	3152	CCAAGUCCUACAGACUCC ^A	47	con sentido	30708	EGFR:3154U21 ARNip stab04	B ccAAGuccuAcAGAcuccATT B	351
EGFR	799	GAACUGCCAGAAACUGACC	44	antisentido	30709	EGFR:819L21 ARNip (801C) stab05	GGucAGuuuucUGGcAGuuucTsT	352

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
EGFR	1380	AGGAAAUACACAGGUUUUU	42	antisentido	30710	EGFR:1400L21 ARNip (1382C) stab05	AAAAAaccuGuGAuuuccuTsT	353
EGFR	3064	GUUCCGUGAGUUGAUC	46	antisentido	30711	EGFR:3084L21 ARNip (3066C) stab05	GAUGAucAAcucAcGGAAcTsT	354
EGFR	3152	CCAAGUCCUACAGACUCCA	47	antisentido	30712	EGFR:3172L21 ARNip (3154C) stab05	uGGAGucGuAGGAcuuGGTsT	355
EGFR	799	GAACUGCCAGAAACUGACC	44	con sentido	30985	EGFR:801 U21 ARNip	GAACUGCCAGAAACUGACC TT	356
EGFR	1380	AGGAAAUACACAGGUUUUU	42	con sentido	30986	EGFR:1382U21 ARNip	AGGAAAUACACAGGUUUUU TT	357
EGFR	3064	GUUCCGUGAGUUGAUC	46	con sentido	30987	EGFR:3066U21 ARNip	GUUCCGUGAGUUGAUCU CT	358
EGFR	3152	CCAAGUCCUACAGACUCCA	47	con sentido	30988	EGFR:3154U21 ARNip	CCAAGUCCUACAGACUCC ATT	359
EGFR	799	GAACUGCCAGAAACUGACC	44	antisentido	31061	EGFR:819L21 ARNip (801 C)	GGUCAGUUUCUGGCAGUUC TT	360
EGFR	1380	AGGAAAUACACAGGUUUUU	42	antisentido	31062	EGFR:1400L21 ARNip (1382C)	AAAAACCCUGUGAUUUUCCU TT	361
EGFR	3064	GUUCCGUGAGUUGAUC	46	antisentido	31063	EGFR: 3084L21 ARNip (3066C)	GAUGAUCAAUCACCGGA CT	362
EGFR	3152	CCAAGUCCUACAGACUCCA	47	antisentido	31064	EGFR:3172L21 ARNip (3154C)	UGGAGUCUGUAGGACUUGG TT	363

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI Nº	Alias	Secuencia	Sec ID Nº
EGFR	3152	CCAAAGUCCUACAGACUCCA	47	con sentido	31300	EGFR:3154U21 ARNip stab04	B ccAAAGuccuAcAGAcuccATT B	351
EGFR	3152	CCAAAGUCCUACAGACUCCA	47	antisentido	31301	EGFR:3172L21 ARNip (3154C) stab05	uGGAGGucuGuAGGAcuuGGTsT	355
EGFR	3152	CCAAAGUCCUACAGACUCCA	47	con sentido	31312	EGFR:3154U21 ARNip inv stab04	B AccucAGAcAuccuGAAccTT B	364
EGFR	3152	CCAAAGUCCUACAGACUCCA	47	antisentido	31313	EGFR:3172L21	GGuucAGGAuGucuGAGGuTsT	365
ERG2	242	AGGUGAAUGGCUCUAAAGGAACUCU	48	con sentido	30761	ERG2:244U21 ARNip stab04	B GuGAAuUGGcucAAGGAACuTT B	366
ERG2	517	AAGGAACUGUGCAAGAUAGACCAA	49	con sentido	30762	ERG2:519U21 ARNip stab04	B GGAAcuGuGcAAGAUAGAccTT B	367
ERG2	759	GAAAGCUGCUCUAAACCAUCUCCUU	50	con sentido	30763	ERG2:761 U21 ARNip stab04	B AAGcuGcucAAccAuccTT B	368
ERG2	767	CUCAACCAUCUCCUCCACAGUG	51	con sentido	30764	ERG2:769U21 ARNip stab04	B cAAccAuccuuccAcAGTT B	369
ERG2	242	AGGUGAAUGGCUCUAAAGGAACUCU	48	antisentido	30765	ERG2:262L21 ARNip (244C) stab05	AGuuccuuGAGGcAuucAcTsT	370
ERG2	517	AAGGAACUGUGCAAGAUAGACCAA	49	antisentido	30766	ERG2:537L21 ARNip (519C) stab05	GGucAuccuGcAcAGuuccTsT	371
ERG2	759	GAAAGCUGCUCUAAACCAUCUCCUU	50	antisentido	30767	ERG2:779L21 ARNip (761 C) stab05	GGAGAuGGuuGAGcAGcuuTsT	372

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
ERG2	767	CUCAAACCAUCUCCUCCACACAGUG	51	antisentido	30768	ERG2:787L21 ARNip (769C) stab05	cuGuGGAAGGAGAuGGuuGTsT	373
ERG2	242	AGGUGAAUUGGCUCUCAAAGGAACUCU	48	con sentido	31045	ERG2:244U21 ARNip	GUGAAUGGCUCAAGGAACUUTT	374
ERG2	517	AAGGAACUGUGCAAGGAUGACCAA	49	con sentido	31046	ERG2:519U21 ARNip	GGAACUGUGCAAGGAUGACCTT	375
ERG2	759	GAAAGCUGCUCUCAAACCAUCUCCUU	50	con sentido	31047	ERG2:761 U21 ARNip	AAGCUGCUCUCAAACCAUCUCCTT	376
ERG2	767	CUCAAACCAUCUCCUCCACACAGUG	51	con sentido	31048	ERG2:769U21 ARNip	CAACCAUCUCCUCCACAGTT	377
ERG2	242	AGGUGAAUUGGCUCUCAAAGGAACUCU	48	antisentido	31121	ERG2:262I21 ARNip (244C)	AGUUCUUGAGCCAUUCACCTT	378
ERG2	517	AAGGAACUGUGCAAGGAUGACCAA	49	antisentido	31122	ERG2:537L21 ARNip (519C)	GGUCAUCUUGCACAGUUCCTT	379
ERG2	759	GAAAGCUGCUCUCAAACCAUCUCCUU	50	antisentido	31123	ERG2:779L21 ARNip (761 C)	GGAGAUGGUUGAGCAGCUUTT	380
ERG2	767	CUCAAACCAUCUCCUCCACACAGUG	51	antisentido	31124	ERG2:787L21 ARNip (769C)	CUGUGGAAGGAGAUGGUUGTT	381
EZH2	201	UACAUGGCACUGAGACAGCUCAA	52	con sentido	31416	EZH2:203U21 ARNip	CAUGCGACUGAGACAGCUcTr	382
EZH2	338	GCACAUCUGACUUCUGUGAGCU	53	con sentido	31417	EZH2:340U21 ARNip	ACAUCCUGACUUCUGUGAGTT	383
EZH2	688	ACGAUGAUGAUGGAGAGCGAU	54	con sentido	31418	EZH2:690U21 ARNip	GAUGAUGAUGGAGAGCGTT	384

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
EZH2	1493	UGACAAUUUCUGUGGCCAUUGCUA	55	con sentido	31419	EZH2:1495U21 ARNip	ACAAUUUCUGUGGCCAUUGCTT	385
EZH2	201	UACAUGCGACUGAGACAGCUCAA	52	antisentido	31420	EZH2:221 L21 ARNip (203C)	GAGCUGUCUCAGUCGCAUGTT	386
EZH2	338	GCACAUCCUGACUUCUGUGAGCU	53	antisentido	31421	EZH2:358L21 ARNip (340C)	CUCACAGAAAGUCAGGAUGUTT	387
EZH2	688	ACGAUGAUGAUGAUGGAGACGAU	54	antisentido	31422	EZH2:708L21 ARNip (690C)	CGUCUCCAUCAUCAUCAUCTT	388
EZH2	1493	UGACAAUUUCUGUGGCCAUUGCUA	55	antisentido	31423	EZH2:1513L21 ARNip (1495C)	GCAAUGGCACAGAAAUUGUTT	389
FLT1	347	AACUGAGUUUAAAAGGCACCCAG	56	con sentido	29694	FLT1:349U21 ARNip stab01	CsUsGsAsGsUUUAAAAGGCACCCCTsT	390
FLT1	2338	AACAACCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	29695	FLT1:2340U21 ARNip stab01	CsAsAsCsCsACAAAAUACAACAATsT	391
FLT1	3910	AGCCUGGAAAGAAUCAAACCCUU	58	con sentido	29696	FLT1:3912U21 ARNip stab01	CsCsUsGsGsAAAAAGAAUCAAACCCCTsT	392
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGCCUCUGAUGGU	59	con sentido	29697	FLT1:2949U21 ARNip stab01	GsCsAsAsGsGAGGGCCUCUGAUGTsT	393
FLT1	347	AACUGAGUUUAAAAGGCACCCAG	56	antisentido	29698	FLT1:369L21 ARNip (349C) stab01	GsGsGsUsGsCCUUUUAAAACUCAGTsT	394

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	29699	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) stab01	UsUsGsUsUsGUAUUUUUGUGGUUGTsT	395
FLT1	3910	AGCCUGGAAAGAAUCAAACCCUU	58	antisentido	29700	FLT1:3932L21 ARNip (3912C) stab01	GsGsUsUsUGAUUUUCCAGGTsT	396
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGCCUCUGAUGGU	59	antisentido	29701	FLT1:2969L21 ARNip (2949C) stab01	CsAsUsCsAsGAGGCCCUUGCTsT	397
FLT1	347	AACUGAGUUUAAAAGGCACCCAG	56	con sentido	29702	FLT1:349U21 ARNip stab03	csusGsAsGuuuAAAAAGGcAcscscsTsT	398
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	29703	FLT1:2340U21 ARNip stab03	csAsAscscAcAAAAuAcAAcsAsTsT	399
FLT1	3910	AGCCUGGAAAGAAUCAAACCCUU	58	con sentido	29704	FLT1:3912U21 ARNip stab03	cscsusGsGAAAGAAucAAAAAscscsTsT	400
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGCCUCUGAUGGU	59	con sentido	29705	FLT1:2949U21 ARNip stab03	GscsAsAsGGAGGGccucucGAsusGsTsT	401
FLT1	347	AACUGAGUUUAAAAGGCACCCAG	56	antisentido	29706	FLT1:369L21 ARNip (349C) stab02	GsGsGsUsGsCsCsUsUsUsAsAsAsCsUsCsAsGsTsT	402
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	29707	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) stab02	UsUsGsUsUsGsUsAsUsUsUsGsUsGsGsTsT	403
FLT1	3910	AGCCUGGAAAGAAUCAAACCCUU	58	antisentido	29708	FLT1:3932L21 ARNip (3912C) stab02	GsGsUsUsUsGsAsUsUsCsUsUsUsCsCsAsGsTsT	404

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGCCUCUGAUGGU	59	antisentido	29709	FLT1:2969L21 ARNip (2949C) stab02	CsAsUsCsAsGsAsGsCsCsCsUsCsCsUsUsGsCsTsT	405
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	29981	FLT1:2340U21 ARNip Nativo	CAACCACAAAAUACAACAAGA	406
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	29982	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) Nativo	UUGUUGUAUUUUUGUGGUUGUU	407
FLT1	2340	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	29983	FLT1:2342U21 ARNip stab01 inv	AsAsCsAsAsCAUAAAAACACCAACTsT	408
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	29984	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) stab01 Inv	GsUsUsGsGsUGUUUUUAUGUUGUUTsT	409
FLT1	2340	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	29985	FLT1:2342U21 ARNip stab03 inv	AsAsCsAsAcAuAAAAAccAccAsAscsTsT	410
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	29986	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) stab02 inv	GsUsUsGsGsUsGsUsUsUsAsUsGsUsUsGsUsTsT	411
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	29987	FLT1:2340U21 ARNip inv Nativo	AGAACACAUAUAAAAACACCAAC	412
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	29988	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) inv Nativo	UUGUUGGUGUUUUUAUGUUGUU	413
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	30075	FLT1:2340U21 ARNip	CAACCACAAAAUACAACAATT	414

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30076	FLT1:2358L21 ARNip (2340C)	UUGUUGUAUUUUGUGUUGTT	415
FLT1	2340	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	30077	FLT1:2342U21 ARNip inv	AGAACAAACAUAAAACACCATT	416
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30078	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) inv	UUGUUGGUGUUUUUAUGUUGTT	417
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30187	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) 2'-F U _i C	uuGuuGuAuuuuuGuGGuuGTT	418
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30190	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) nitroindol	uuGuuGuAuuuuuGuGGuuGXX	419
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30193	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) nitropirrol	uuGuuGuAuuuuuGuGGuuGZZ	420
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	30196	FLT1:2340U21 ARNip con sentido protecciones IB c/2'FY's	B cAAccAcAAAAAuAcAAcAATT B	421
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	30199	FLT1:2340U21 ARNip con sentido protecciones iB	cAAccAcAAAAAuAcAAcAATT	422
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30340	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) 3'dT	uuGuuGuAuuuuuGuGGuuGTY	423
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30341	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) glicerilo	uuGuuGuAuuuuuGuGGuuGTM	424

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30342	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) 3'OMeU	uuGuuGuAuuuuuGuGGuuGTN	425
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30343	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) L-dT	uuGuuGuAuuuuuGuGGuuGTP	426
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30344	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) LrU	uuGuuGuAuuuuuGuGGuuGTQ	427
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30345	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) idT	uuGuuGuAuuuuuGuGGuuGTY	428
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30346	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) 3'dT	uuGuuGuAuuuuuGuGGuuGYT	429
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30416	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) TsT	uuGuuGuAuuuuuGuGGuuGTsT	430
FLT1	1182	UCGUGUAAGGAGUGGACCAUCAU	60	con sentido	30777	FLT1:1184U21 ARNip stab04	B GuGuAAGGAGuGGAccAucTT B	431
FLT1	3501	UUACGGAGUAUUUCUGUGGGAAA	61	con sentido	30778	FLT1:3503U21 ARNip stab04	B AcGGAGuAuuGcuGuGGGATT B	432
FLT1	4713	UAGCAGGCCUAAAGACAUGUGAGG	62	con sentido	30779	FLT1:4715U21 ARNip stab04	B GcAGGccuAAAGAcAuGuGATT B	433
FLT1	4751	AGCAAAAAGCAAGGGGAGAAAAAGA	63	con sentido	30780	FLT1:4753U21 ARNip stab04	B cAAAAAGcAAAGGGAGAAAAATT B	434

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
FLT1	1182	UCGUGUAAAGGAGUGGACCAUCAU	60	antisentido	30781	FLT1:1202L21 ARNip (1184C) stab05	GAUGGuccAcuccuuAcAcTsT	435
FLT1	3501	UUACGGAGUAUUGCUGUGGGAAA	61	antisentido	30782	FLT1:3521L21 ARNip (3503C) stab05	ucccAcAcGcAAuAcuccGuTsT	436
FLT1	4713	UAGCAGGCCUAAAGACAUGUGAGG	62	antisentido	30783	FLT1:4733L21 ARNip (4715C) stab05	ucAcAuGuccuuAGGccuGcTsT	437
FLT1	4751	AGCAAAAAAGCAAGGGAGAAAAAGA	63	antisentido	30784	FLT1:4771 L21 ARNip (4753C) stab05	uuuuuccccuuGcuuuuuGTsT	438
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	30955	F1T1:2340U21 ARNip	B cAAccAcAAAAuAcAAATf B	439
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30956	stab07 FLT1: 2358L21 ARNip (2340C) stab08	uuGuuGuAuuuuGuGGuuGTsT	440
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	30963	FLT1:2340U21 ARNip inv	AACAACAUA AAAACACCAACTT	441
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30964	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) inv	GUUGGUGUUUUUAUGUUGUUTT	442
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	30965	FLT1:2340U21 ARNip stab04 inv	B AAcAAcAuAAAAAccAAcTT B	443
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30966	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) stab05 inv	GuuGGuGuuuuAuGuuGuuTsT	444
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	30967	FLT1:2340U21 ARNip stab07 inv	B AAcAAcAuAAAAAccAAcTTE B	445

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30968	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) stab08 inv	GuuGGuGuuuuuAuGuuGuuTsT	446
FLT1	347	AACUGAGUUUAAAAAGGCACCCAG	56	con sentido	31182	FLT1:349U21 ARNip TT	CUGAGUUUAAAAAGGCACCCtT	447
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGCCUCUCUGAUGGU	59	con sentido	31183	FLT1:2949U21 ARNip TT	GCAAGGAGGGCCUCUCUGAUGTT	448
FLT1	3910	AGCCUGGAAAGAAUCAAACCUU	58	con sentido	31184	FLT1:3912U21 ARNip TT	CCUGGAAAGAAUCAAAAACCTT	449
FLT1	347	AACUGAGUUUAAAAAGGCACCCAG	56	antisentido	31185	FLT1:367L21 ARNip (349C) TT	GGGUGCCUUUUAAAACUCAGTT	450
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGCCUCUCUGAUGGU	59	antisentido	31186	FLT1:2967L21 ARNip (2949C) TT	CAUCAGAGGGCCUCCUUGCTT	451
FLT1	3910	AGCCUGGAAAGAAUCAAACCUU	58	antisentido	31187	FLT1:3930L21 ARNip (3912C) TT	GGUUUUGAUUUUCCAGGTr	452
FLT1	347	AACUGAGUUUAAAAAGGCACCCAG	56	con sentido	31188	FLT1:349U21 ARNip stab04	B cuGAGuuuAAAAAGGcAcccTT B	453
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGCCUCUCUGAUGGU	59	con sentido	31189	FLT1:2949U21 ARNip stab04	B GcAAGGAGGGccucucuGAUGTT B	454
FLT1	3910	AGCCUGGAAAGAAUCAAACCUU	58	con sentido	31190	FLT1:3912U21 ARNip stab04	B ccuGGAAAAGMAucAAAAccTT B	455
FLT1	347	AACUGAGUUUAAAAAGGCACCCAG	56	antisentido	31191	FLT1:367L21 ARNip (349C) stab05	GGGuGccuuuuuAAAAcucAGTsT	456

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGCCUCUGAUGGU	59	antisentido	31192	FLT1:2967L21 ARNip (2949C) stab05	cAucAGAGGgccuccuuGcTsT	457
FLT1	3910	AGCCUGGAAAGAAUCAAACCCUU	58	antisentido	31193	FLT1:3930L21 ARNip (3912C) stab05	GGuuuuGAuuuuuccAGGTsT	458
FLT1	347	AACUGAGUUUUAAAAGGCACCCAG	56	con sentido	31194	FLT1:349U21 ARNip stab07	B cuGAGuuuAAAAAGGcAccTT B	459
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGCCUCUGAUGGU	59	con sentido	31195	FLT1:2949U21 ARNip stab07	B GcAAGGAGGGccuccuGAUGTT B	460
FLT1	3910	AGCCUGGAAAGAAUCAAACCCUU	58	con sentido	31196	FLT1:3912U21 ARNip stab07	B ccuGGAAAGAAucAAAAccTT B	461
FLT1	347	AACUGAGUUUUAAAAGGCACCCAG	56	antisentido	31197	FLT1:367L21 ARNip (349C) stab08	GGGuGccuuuuuAAAacucAGTsT	462
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGCCUCUGAUGGU	59	antisentido	31198	FLT1:2967L21 ARNip (2949C) stab08	cAucAGAGGgccuccuuGcTsT	463
FLT1	3910	AGCCUGGAAAGAAUCAAACCCUU	58	antisentido	31199	FLT1:3930L21 ARNip (3912C) stab08	GGuuuuGAuuuuuccAGGTsT	464
FLT1	347	AACUGAGUUUUAAAAGGCACCCAG	56	con sentido	31200	FLT1:349U21 ARNip inv TT	CCCACGGAAAAUUUGAGUCTT	465
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGCCUCUGAUGGU	59	con sentido	31201	FLT1:2949U21 ARNip inv TT	GUAGUCUCCGGGAGGAACGTT	466

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
FLT1	3910	AGCCUGGAAAGAAUCAAACCUU	58	con sentido	31202	FLT1:3912U21 ARNip inv TT	CCAAAAACUAAAGAAAGGUCCTr	467
FLT1	347	AACUGAGUUUUAAAAGGCACCCAG	56	antisentido	31203	FLT1:367L21 ARNip (349C) Inv TT	GACUCAAUUUUUCCGUGGGTT	468
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGCCUCUGAUGGU	59	antisentido	31204	FLT1:2967L21 ARNip (2949C) inv TT	CGUUCUCCCGGAGACUACTT	469
FLT1	3910	AGCCUGGAAAGAAUCAAACCUU	58	antisentido	31205	FLT1:3930L21 ARNip (3912C) inv TT	GGACCUUUUCUUAGUUUUUGGTT	470
FLT1	347	AACUGAGUUUUAAAAGGCACCCAG	56	con sentido	31206	FLT1:349U21 ARNip stab04 inv	B cccAcGGAAAAUUUUGAGucTT B	471
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGCCUCUGAUGGU	59	con sentido	31207	FLT1:2949U21 isRNA stab04 inv	B GuAGucuccGGGAGGAacGTT B	472
FLT1	3910	AGCCUGGAAAGAAUCAAACCUU	58	con sentido	31208	FLT1:3912U21 ARNip stab04 inv	B ccAAAAACUAAAGAAAGGuccTT B	473
FLT1	347	AACUGAGUUUUAAAAGGCACCCAG	56	antisentido	31209	FLT1:367L21 ARNip (349C) stab05 inv	GAcucAAAAUUUUUccGUUGGGTsT	474
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGCCUCUGAUGGU	59	antisentido	31210	FLT1:2967L21 ARNip (2949C) stab05 inv	cGuuccuccccGGAGAcuAcTsT	475
FLT1	3910	AGCCUGGAAAGAAUCAAACCUU	58	antisentido	31211	FLT1:3930L21 ARNip (3912C) stab05 inv	GGAccuuuuuuAGuuuuGGTsT	476

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
FLT1	347	AACUGAGUUUAAAAAGGCACCCAG	56	con sentido	31212	FLT1:349U21 ARNip stab07 inv	B cccAcGGAAAAuuuGAGucTT B	477
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGCCUCUGAUGGU	59	con sentido	31213	FLT1:2949U21 ARNip stab07 inv	B GuAGucuccGGGAGGAAcGIT B	478
FLT1	3910	AGCCUGGAAAGAAUCAAACCCUU	58	con sentido	31214	FLT1:3912U21 ARNip stab07 inv	B ccAAAAcuAAGAAAGGuccTf B	479
FLT1	347	AACUGAGUUUAAAAAGGCACCCAG	56	antisens	31215	FLT1:367L21 ARNip (349C) stab08 inv	GAcucAAAAuuuuccGuGGTsT	480
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGCCUCUGAUGGU	59	antisentido	31216	FLT1:2967L21 ARNip (2949C) stab08 inv	cGuuccuccGGGAGAcuAcTsT	481
FLT1	3910	AGCCUGGAAAGAAUCAAACCCUU	58	antisentido	31217	FLT1:3930L21 ARNip (3912C) stab08 inv	GGAccuuuuuuAGuuuuGGTsT	482
FLT1	347	AACUGAGUUUAAAAAGGCACCCAG	56	con sentido	31270	FLT1:349U21 ARNip stab09	B CUGAGUUUAAAAAGGCACCCCTT B	483
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGCCUCUGAUGGU	59	con sentido	31271	FLT1:2949U21 ARNip stab09	B GCAAGGAGGGCCUCUGAUGTT B	484
FLT1	3910	AGCCUGGAAAGAAUCAAACCCUU	58	con sentido	31272	FLT1:3912U21 ARNip stab09	B CCUGGAAAGAAUCAAACCCCTT B	485
FLT1	347	AACUGAGUUUAAAAAGGCACCCAG	56	antisentido	31273	FLT1:367L21 ARNip (349C) stab10	GGGUGCCUUUUUAAACUCAGTsT	486

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGCCUCUGAUGGU	59	antisentido	31274	FLT1:2967L21 ARNip (2949C) stab10	CAUCAGAGGGCCUCCUUGCTsT	487
FLT1	3910	AGCCUGGAAAGAAUCAAACCCUU	58	antisentido	31275	FLT1:3930L21 ARNip (3912C) stab10	GGUUUUGAUUCUUUCCAGGTsT	488
FLT1	347	AACUGAGUUUAAAAGGCACCCAG	56	con sentido	31276	FLT1:349U21 ARNip stab09 inv	B CCCACGGAAAAUUUGAGUCTT B	489
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGCCUCUGAUGGU	59	con sentido	31277	FLT1:2949U21 ARNip stab09 inv	B GUAGUCUCCGGGAGGAACGTT B	490
FLT1	3910	AGCCUGGAAAGAAUCAAACCCUU	58	con sentido	31278	FLT1:3912U21 ARNip stab09 inv	B CCAAAACUAAGAAAAGGucarr B	491
FLT1	347	AACUGAGUUUAAAAGGCACCCAG	56	antisentido	31279	FLT1:367L21 ARNip (349C) stab10 inv	GACUCAAUUUUUCCGUGGGTsT	492
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGCCUCUGAUGGU	59	antisentido	31280	FLT1:2967L21 ARNip (2949C) stab10 inv	CGUUUCCUCCCGGAGACUAGTsT	493
FLT1	3910	AGCCUGGAAAGAAUCAAACCCUU	58	antisentido	31281	FLT1:3930L21 ARNip (3912C) stab10 inv	GGACCUUUCUUAGUUUUUGGTsT	494
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	31424	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) stab11 3'-BrdU	uuuGuuGuAuuuuGuGGuuGRsR	495
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGCCUCUGAUGGU	59	antisentido	31425	FLT1:2967L21 ARNip (2949C) estable 11 3'-BrdU	cAucAGAGGcccccuccuuGcRsR	496

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	31442	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) stab11 3'-BrdU	uuGuuGuAuuuuuGuGGuuGRsT	497
FLT1	2947	AAGCAAGGAGGGGCCUCUGAUGGU	59	antisentido	31443	FLT1:2967L21 ARNip (2949C) stab11 3'-BrdU	cAucAGAGGGcccccuccuuGcRsT	498
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	31449	FLT1:2340U21 ARNip stab09	B CAACCCACAAAAUACAACAATT B	499
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	31450	FLT1:2340U21 ARNip inv stab09	B AACAAACAUAACCAACCAACTT B	500
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	31451	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) stab10	UUGUUUGUAUUUUUGUGGUUGTsT	501
FLT1	2338	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	31452	FLT1:2358L21 ARNip (2340C) inv stab10	GUUGGUGUUUUUAUUGUUGUITS	502
FOS	17	AGCAACUGAGAAAGCCAAAGACUGA	64	con sentido	30769	FOS:19U21 ARNip stab04	B cAAcuGAGAAGccAAGAcuTT B	503
FOS	1026	GACAUGGACCUAUCUGGGGUCCUU	65	con sentido	30770	FOS:1028U21 ARNip stab04	B cAuGGAccuAucuGGGUccTT B	504
FOS	1403	UAGGGAGGACCUUAUCUGUGCGU	66	con sentido	30771	FOS:1405U21 ARNip stab04	B GGGAGGAGccuuAucuGuGcTT B	505
FOS	1460	AAGCAUCCAUUGUGUGGACUCAAG	67	con sentido	30772	FOS:1462U21 ARNip stab04	B GcAuccAuGuGGAcucATT B	506

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
FOS	17	AGCAACUGAGAAAGCCAAAGACUGA	64	antisentido	30773	FOS:37L21 ARNip (19C) stab05	AGucuuGGcuucucAGuuGTsT	507
FOS	1026	GACAUGGACCUAUCUGGGUCCUU	65	antisentido	30774	FOS:1046L21 ARNip (1028C) stab05	GGAcccAGAuAGGuccAuGTsT	508
FOS	1403	UAGGGAGGACCUUAUCUGUGCGU	66	antisentido	30775	FOS:1423L21 ARNip (1405C) stab05	GcAcAGAuAAGGuccuccTsT	509
FOS	1460	AAGCAUCCAUUGUGGACUCAAG	67	antisentido	30776	FOS:1480L21 ARNip (1462C) stab05	uGAGuccAcAcAuGGAuGcTsT	510
FOS	17	AGCAACUGAGAAAGCCAAAGACUGA	64	con sentido	31049	FOS:19U21 ARNip	CAACUGAGAAAGCCAAAGACUTT	511
FOS	1026	GACAUGGACCUAUCUGGGUCCUU	65	con sentido	31050	FOS:1028U21 ARNip	CAUGGACCUAUCUGGGUCCTT	512
FOS	1403	UAGGGAGGACCUUAUCUGUGCGU	66	con sentido	31051	FOS:1405U21 ARNip	GGGAGGACCUUAUCUGUGCTT	513
FOS	1460	AAGCAUCCAUUGUGGACUCAAG	67	con sentido	31052	FOS:1462U21 ARNip	GCAUCCAUUGUGGACUCATT	514
FOS	17	AGCAACUGAGAAAGCCAAAGACUGA	64	antisentido	31125	FOS:37L21 ARNip (19C)	AGUCUUGGCUUCUCAGUUGTT	515
FOS	1026	GACAUGGACCUAUCUGGGUCCUU	65	antisentido	31126	FOS:1046L21 ARNip (1028C)	GGACCCAGAUAGGUCCAUUGTT	516
FOS	1403	UAGGGAGGACCUUAUCUGUGCGU	66	antisentido	31127	FOS:1423L21 ARNip (1405C)	GCACAGAUAAAGGUCCUCCCTT	517
FOS	1460	AAGCAUCCAUUGUGGACUCAAG	67	antisentido	31128	FOS:1480L21 ARNip (1462C)	UGAGUCCACACAUGGAUGCTT	518

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
GAB2	2681	UGAAGAGGGAAAGCUGACAUCUG	68	con sentido	31541	GAB2:2681U21 ARNip	AAGAGGGAAAGCUGACAUCU	519
GAB2	4316	GAGGAAGAAAGGAGGAGGCUU	69	con sentido	31542	GAB2:4316U21 ARNip	GGAAGAAAGGAGGAGAGGCU	520
GAB2	5006	GAGAGGACUGAGCCUACGGAAAG	70	con sentido	31543	GAB2:5006U21 ARNip	GAGGACUGAGCCUACGGAA	521
GAB2	5958	UUUGCUGUGGUGACACAUUGGUAC	71	con sentido	31544	GAB2:5958U21 ARNip	UGCUGUGGUGACACAUUGGU	522
GAB2	2699	UGAAGAGGGAAAGCUGACAUCUG	68	antisentido	31545	GAB2:2699L21 ARNip (2681 C)	GAUGUCAGCUUCCCCUCU	523
GAB2	4334	GAGGAAGAAAGGAGGAGGCUU	69	antisentido	31546	GAB2:4334L21 ARNip (4316C)	GCCUCUCCUUCUUCUUCCT	524
GAB2	5024	GAGAGGACUGAGCCUACGGAAAG	70	antisens	31547	GAB2:5024L21 ARNip (5006C)	UUCCGUAGGCUCAGUCCU	525
GAB2	5976	UUUGCUGUGGUGACACAUUGGUAC	71	antisentido	31548	GAB2:5976L21 ARNip (5958C)	ACCAUGUGUACCCACAGCA	526
Her2		CCGCAGUGAGCACCAUGGA	72	antisentido	25245	RPI 17763 Her2Neu AS como ARNip Cad 2 (antisentido)	B UCCAUGGUGUCACUGCGGCU B	527
Her2		AGCCGCAGUGAGCACCAUG	73	con sentido	25246	RPI 17763 Her2Neu AS como ARNip Cad 1 (con sentido)	B AGCCGCAGUGAGCACCAUGGA B	528

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
Her2		CCGCAGUGAGACCAUGGA	72	con sentido	25247	RPI 17763 Her2Neu AS como ARNip Cad 1 (con sentido) Control invertido	B AGGUACCACGAGUGACGCCCGA B	529
Her2		CAUGGUGUCACUGCGGCU	74	con sentido	25248	RPI 17763 Her2Neu AS como ARNip Cad 1 (con sentido) Complemento de control invertido	B UCGGGGUCACUCUGGUGUACCU B	530
Her2		CCGCAGUGAGACCAUGGA	72	antisentido	25822	RPI 17763 Her2Neu AS como ARNip Cad 2 (antisentido)+ saliente 2U	UCCAUGGUGUCACUCUGCGGCUUU	531
Her2		AGCCGCAGUGAGACCAUG	73	con sentido	25823	RPI 17763 Her2Neu AS como ARNip Cad1 (con sentido) + saliente 2U	AGCCGCAGUGAGACCAUGGAUU	532
Her2		CCGCAGUGAGACCAUGGA	72	antisentido	25842	RPI 17763 Her2Neu AS como ARNip Cad 2 (antisentido)+ saliente 2U	B UCCAUGGUGUCACUCUGCGGCUUU B	533
Her		AGCCGCAGUGAGACCAUG	73	con sentido	25843	RPI 17763 Her2Neu AS como ARNip Cad 1 (con sentido) + saliente 2U	B AGCCGCAGUGAGACCAUGGp,UU B	534
Her2		UGGGGUCGUCAAAAGACGUU	75	con sentido	28262	Her2. 1. con sentido Cad1	UGGGGUCGUCAAAAGACGUUIT	535
Her2	3706	UGGGGUCGUCAAAAGACGUU	75	antisentido	28263	Her2. 1. antisentido Cad2	AACGUCUUUUGACGACCCCCATT	536

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
Her2		UGGGGUCGUCAAAAGACGUU	75	con sentido	28264	Her2.1.con sentido Cad1 invertido	UUGCAGAAACUGCUGGGGUTT	537
Her2	3706	UGGGGUCGUCAAAAGACGUU	75	antisentido	28265	Her2.1.antisentido Cad2 invertido	ACCCAGCAGUUUCUGCAATT	538
Her2		GGUGCUUGGAUCUGGCGCU	76	con sentido	28266	Her2.2.con sentido Cad1	GGUGCUUGGAUCUGGCGCUTT	539
Her2	2344	GGUGCUUGGAUCUGGCGCU	76	antisentido	28267	Her2.2.antisentido Cad2	AGCGCCAGAUCCAAAGCACCTT	540
Her2		GGUGCUUGGAUCUGGCGCU	76	con sentido	28268	Her2.2.con sentido Cad1 invertido	UCGCGGUCUAGGUUCGUGGTT	541
Her2	2344	GGUGCUUGGAUCUGGCGCU	76	antisentido	28269	Her2.2.antisentido Cad2 invertido	CCACGAAACCUAGACCGCGATT	542
Her2		GAUCUUUGGAGGCCUGGCA	77	con sentido	28270	Her2.3.con sentido Cad1	GAUCUUUGGAGGCCUGGCATT	543
Her2		GAUCUUUGGAGGCCUGGCA	77	antisentido	28271	Her2.3.antisentido Cad2	UGCCAGGCUCGCCAAAGAUCTT	544
Her2		GAUCUUUGGAGGCCUGGCA	77	con sentido	28272	Her2.3.con sentido Cad1 invertido	ACGGUCCGAGGGUUUCUAGTT	545
Her2		GAUCUUUGGAGGCCUGGCA	77	antisentido	28273	Her2.3.antisentido Cad2 invertido	CUAGAAACCCUCGGACCGUTT	546
Her2	2342	GGUGCUUGGAUCUGGCGCU	76	con sentido	29989	Her2.2.con sentido Cad1 (sitio 2344)	GsGsusGscuuGGAucuGGcGscsusTsT	547
Her2	2344	GGUGCUUGGAUCUGGCGCU	76	antisentido	29990	Her2.2.antisentido Cad2	AsGsCsGsCsCAGAUCCAAGCACCTsT	548

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
Her2	2342	GGUGCUUUGGAUCUGGCGCU	76	con sentido	29991	Her2.2.con sentido Cad1 (sitio 2344)	GsGsUsGsCsUUGGAUCUGGCGCUTsT	549
Her2	2342	GGUGCUUUGGAUCUGGCGCU	76	con sentido	29992	Her2.2.con sentido Cad1 (sitio 2344)	GsGsusGscuuGGAucuGGcGcuTTB	550
Her2	2344	GGUGCUUUGGAUCUGGCGCU	76	antisentido	29993	Her2.2.antisentido Cad2	AsGsCsGsCsCsAsGsAsUsCsCsAsGsCs AsCsCsTsT	551
Her2	2344	GGUGCUUUGGAUCUGGCGCU	76	antisentido	29994	Her2.2.antisentido Cad2	AsGsCsGsCsCsAsGsAsUsCCAAGCACCT sT	552
Her2	2344	GGUGCUUUGGAUCUGGCGCU	76	antisentido	29995	Her2.2.antisentido Cad2	AsGsCsGsCsCsAsGsAsUsCsCsAsGsCA CCTsT	553
Her2		GGUGCUUUGGAUCUGGCGCU	76	con sentido	29996	Her2.2.con sentido Cad1 invertido	uscsGscsGGucuAGGuucGusGsTsT	554
Her2		GGUGCUUUGGAUCUGGCGCU	76	con sentido	29997	Her2.2.con sentido Cad1 invertido	UsCsGsCsGsGUCUAGGUUCUGUGGTsT	555
Her2		GGUGCUUUGGAUCUGGCGCU	76	con sentido	29998	Her2.2.con sentido Cad1 invertido	uscsGscsGGucuAGGuucGuGGTTB	556
Her2	2344	GGUGCUUUGGAUCUGGCGCU	76	antisentido	29999	Her2.2.antisentido Cad2 invertido	CsCsAsCsGsAACCUCAGACCGCGATsT	557
Her2	2344	GGUGCUUUGGAUCUGGCGCU	76	antisentido	30000	Her2.2.antisentido Cad2 invertido	CsCsAsCsGsAsAsCsCsUsAsGsAsCsGs CsGsAsTsT	558
Her2	2344	GGUGCUUUGGAUCUGGCGCU	76	antisentido	30001	Her2.2.antisentido Cad2 invertido	CsCsAsCsGsAsAsCsCsUsAGACCGCGAT sT	559

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
Her2	2344	GGUGCUUGGAUCUGGCGCU	76	antisentido	30002	Her2.2.antisentido Cad2 invertido	CsCsAsCsGsAsAsCsCsUsAsGsAsCsCGC GATsT	560
Her2	3704	UGGGGUCGUCAAAAGACGUU	75	con sentido	30438	Her2 con sentido (sitio 3706) stab4	B uGGGGucGucAAAGAcGuuTT B	561
Her2	3706	UGGGGUCGUCAAAAGACGUU	75	antisentido	30439	Her2 antisentido (sitio 3706) stab5	AAcGucuuuGAcGAcccccATsT	562
Her2	3704	UGGGGUCGUCAAAAGACGUU	75	con sentido	30440	Her2 con sentido invertido (sitio 3706) stab4	B uuGcAGAAAACuGcuGGGGuTT B	563
Her2	3706	UGGGGUCGUCAAAAGACGUU	75	antisentido	30441	Her2 antisentido invertido (sitio 3706) stab5	AccccAGcAGuuuuGcAATsT	564
Her2	2342	GGUGCUUGGAUCUGGCGCU	76	con sentido	30442	Her2 con sentido (sitio 2344) stab4	B GGUGcuuGGAucuGGcGcuTT B	565
Her2	2344	GGUGCUUGGAUCUGGCGCU	76	antisentido	30443	Her2 antisentido (sitio 2344) stab5	AGcGccAGAuuccAAAGcAccTsT	566
Her2	2342	GGUGCUUGGAUCUGGCGCU	76	con sentido	30444	Her2 con sentido invertido (sitio 2344) stab4	B ucGcGGGucuAGGuucGuGGTT B	567
Her2	2344	GGUGCUUGGAUCUGGCGCU	76	antisentido	30445	Her2 antisentido invertido (sitio 2344) stab5	ccAcGAAccuAGAccGcGATsT	568
Her2	3704	UGGGGUCGUCAAAAGACGUU	75	con sentido	30446	Her2 con sentido Cad1 sitio 3706 stab6	B uGGGGucGucAAAGAcGuuTT B	569

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
Her2	3704	UGGGGUCGUCAAAAGACGUU	75	con sentido	30447	Her2 con sentido invertido (sitio 3706) stab6	B uuGcAGAAAcuGcuGGGGuTT B	570
Her2	2342	GGUGCUUGGAUCUGGGCGCU	76	con sentido	30448	Her2 con sentido (sitio 2344) stab6	B GGUGcuuGGAucuGGcGcuTT B	571
Her2	2342	GGUGCUUGGAUCUGGGCGCU	76	con sentido	30449	Her2 con sentido invertido (sitio 2344) stab6	B ucGcGGGucuAGGuucGuGGTT B	572
Her2	2344	GGUGCUUGGAUCUGGGCGCU	76	con sentido	30645	HER2:2346U21 ARNip stab07	B GGUGcuuGGAucuGGcGcuTT B	573
Her2	3706	UGGGGUCGUCAAAAGACGUU	75	antisentido	30646	HER2:3726L21 ARNip (3708C) stab07	B AAcGucuuuGAcGAcAcAcATT B	574
Her2	2344	GGUGCUUGGAUCUGGGCGCU	76	antisentido	30647	HER2:2364L21 ARNip (2346C) stab08	AGcGccAGAUccAAAGcAccTsT	575
Her2	3706	UGGGGUCGUCAAAAGACGUU	75	con sentido	30648	HER2:3708U21 ARNip stab08	uGGGGucGucAAAAGAcGuuTsT	576
Her2	1882	GAAUGGCUCAGUGACCCUGU	78	con sentido	30697	HER2:1884U21 ARNip stab04	B GAAuGGcucAGuGAccuGuTT B	577
Her2	2344	GGUGCUUGGAUCUGGGCGCU	76	con sentido	30698	HER2:2346U21 ARNip Stab04	B GGUGcuuGGAucuGGcGcuTT B	565
Her2	3706	UGGGGUCGUCAAAAGACGUU	75	antisentido	30699	HER2:3726L21 ARNip (3708C) stab04	B AAcGucuuuGAcGAcAcAcATT B	578

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
Her2	3877	CACCUUCAAAAGGGACACCU	79	con sentido	30700	HER2:3879U21 ARNip stab04	B cAccuucAAAGGGAcAccuTT B	579
Her2	1882	GAAUGGCUCAGUGACCUGU	78	antisentido	30701	HER2:1902L21 ARNip (1884C) stab05	AcAGGucAcuGAGccAuucTsT	580
Her2	2344	GGUGCUUGGAUCUGGCGCU	76	antisentido	30702	HER2:2364L21 ARNip (2346C) stab05	AGcGccAGAuuccAAAGcAccTsT	566
Her2	3706	UGGGGUCGUCAAAAGACGUU	75	con sentido	30703	HER2:3708U21 ARNip stab05	uGGGGucGucAAAAGAcGuuTsT	581
Her2	3877	CACCUUCAAAAGGGACACCU	79	antisentido	30704	HER2:3897L21 ARNip (3879C) stab05	AGGuGuccuuuGAAGGuGTs1'	582
Her2	3706	UGGGGUCGUCAAAAGACGUU	75	con sentido	30951	HER2:3708U21 ARNip stab07	B uGGGGucGucAAAAGAcGuuTT B	583
Her2	3706	UGGGGUCGUCAAAAGACGUU	75	antisentido	30952	HER2:3726L21 ARNip (3708C) stab08	AAcGucuuuGAcGAcccccATsT	584
Her2	3706	UGGGGUCGUCAAAAGACGUU	75	con sentido	30953	HER2:3708U21 ARNip stab04	B uGGGGucGucAAAAGAcGuuTT B	561
Her2	3706	UGGGGUCGUCAAAAGACGUU	75	antisentido	30954	HER2:3726L21 ARNip (3708C) stab05	AAcGucuuuGAcGAcccccATsT	562
HRAS	77	GAACCAUUUUUGUGGACGAAUACG	80	con sentido	31525	HRAS:77U21 ARNip	ACCAUUUUUGUGGACGAAUATT	585
HRAS	154	GCCUGUUGGACAUCUCCUGGAUACC	81	con sentido	31526	HRAS:154U21 ARNip	CUGUUGGACAUCUCCUGGAUATT	586

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
HRAS	459	GAGGAUGCCCUUCUACACGUUGGU	82	con sentido	31527	HRAS:459U21 ARNip	GGAUGCCCUUCUACACGUUGTT	587
HRAS	513	CUGAACCCUCCUUGAGAGUGG	83	con sentido	31528	HRAS:513U21 ARNip	GAACCCUCCUUGAGAGUUTT	588
HRAS	95	GAACCAUUUUGUGGACGAAUACG	80	antisentido	31529	HRAS:95L21 ARNip (77C)	UAUUCGUCCACAAAUGGUTT	589
HRAS	172	GCCUGUUGGACAUCUCCUGGAUACC	81	antisentido	31530	HRAS:172L21 ARNip (154C)	UAUCCAGGAUGUCCAACAGTT	590
HRAS	477	GAGGAUGCCCUUCUACACGUUGGU	82	antisentido	31531	HRAS:477L21 ARNip (459C)	CAACGUGUAGAAGGCAUCCTT	591
HRAS	531	CUGAACCCUCCUGAGAGAGUGG	83	antisentido	31532	HRAS:531L21 ARNip (513C)	ACUCUCAUCAGGAGGUUCTT	592
hTR	31	UCAGCUUGGCCAAUCCGUGCGGU	84	con sentido	29950	hTR:33U21 ARNip	AGCUUUGGCCAAUCCGUGCGGU	593
hTR	99	GGUUGCGGAGGUGGGCCUGGGA	85	con sentido	29951	hTR:101 U21 ARNip	UUGCGGAGGUGGGCCUGGGA	594
hTR	233	GCCUGCGCCUUCACCCGUUCAU	86	con sentido	29952	hTR:235U21 ARNip	CUGCCGCCUUCACCCGUUCAU	595
hTR	380	GCACCCACUGCCACCGCGAAGAG	87	con sentido	29953	hTR:382U21 ARNip	ACCCACUGCCACCGCGAAGAG	596
hTR	492	GCGCGGCGGAUUCUCCUGAGCUG	88	con sentido	29954	hTR:494U21 ARNip	GCGGCGCGAUUCCUGAGCUG	597
hTR	31	UCAGCUUGGCCAAUCCGUGCGGU	84	antisentido	29955	hTR:53L21 ARNip (33C)	CGCACGGAUUGGCCAACGUGA	598
hTR	99	GGUUGCGGAGGUGGGCCUGGGA	85	antisentido	29956	hTR:121L21 ARNip (101 C)	CCAGGCCCAUCCUCCGCAACC	599

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
hTR	233	GCCUGCGCGCCUUCACCGGUUCAU	86	antisentido	29957	hTR:255L21 ARNip (235C)	GAACGGUGGAAGCGGCAGGC	600
hTR	380	GCACCCACUGCCACCGCGAAGAG	87	antisentido	29958	hTR:402L21 ARNip (382C)	CUUCGCGGUGGCAGUGGGUGC	601
hTR	492	GCGCGCGCGGAUUCUCCUGAGCUG	88	antisentido	29959	hTR:514L21 ARNip (494C)	GCUCAGGGAAUCGCGCCGCGC	602
hTR	62	GCUCUCCUUUAUAAGCCGACUCGC	89	con sentido	30913	hTR:64U21 ARNip stab04	B uccccuuuAAAGccGAcucTT B	603
hTR	241	CCUUCACCGGUUCAUUCUAGAGC	90	con sentido	30914	hTR:243U21 ARNip stab04	B uuuccAccGuucAuucuuAGATT B	604
hTR	243	UUCACCGGUUCAUUCUAGAGCAA	91	con sentido	30915	hTR:245U21 ARNip stab04	B ccAccGuucAuucuuAGAGcTT B	605
hTR	395	GCGAAGAGUUGGCGUCUCUGCAGC	92	con sentido	30916	hTR:397U21 ARNip stab04	B GAAGAGuuGGGcucuGucATT B	606
hTR	62	GCUCUCCUUUAUAAGCCGACUCGC	89	antisentido	30917	hTR:82L21 ARNip (64C) stab05	GAGucGGcuuAuAAAAGGGATaT	607
hTR	241	CCUUCACCGGUUCAUUCUAGAGC	90	antisentido	30918	hTR:261 L21 ARNip (243C) stab05	ucuAGAAuGAAcGGuGGAATsT	608
hTR	243	UUCACCGGUUCAUUCUAGAGCAA	91	antisentido	30919	hTR:263L21 ARNip (245C) stab05	GcucuAGAAuGAAcGGuGGTsT	609

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
hTR	395	GCGAAGAGUUGGGCUCUGUCAGC	92	antisentido	30920	hTR:415L21 ARNip (397C) stab05	uGAcAGAGGcccAAcucucucTsT	610
IKKg	166	UGGAAGAGGCCAACUGUGAGAGAU	93	con sentido	30801	IKKg:166U21 ARNip stab04	B GAAGAGGccAAcuGuGuGAGTT B	611
IKKg	407	AGAGGGAGGAGAGGAGUUCUCCUC	94	con sentido	30802	IKKg:407U21 ARNip stab04	B AGGGAGGAGAGGAGUuccIT B	612
IKKg	1162	AGGAGUACAGCAAAACUGAAGGC	95	con sentido	30803	IKKg:1162U21	B GGAGuAcAGcAAAACuGAAAGTT B	613
IKKg	1390	GUCAUGGAGUGGCAUUGAGUAGGG	96	con sentido	30804	IKKg:1390U21 ARNip stab04	B cAuGGAGuGcAuGAGuAGTT B	614
IKKg	184	UGGAAGAGCCAAACUGUGAGAGAU	93	antisentido	30805	IKKg:184L21 ARNip (166C) stab05	cucAcAcAGuuGGcucucucTsT	615
IKKg	425	AGAGGGAGGAGAGGAGUUCUCCUC	94	antisentido	30806	IKKg:425L21 ARNip (407C) stab05	GGAAcuccuuccuccuccuTsT	616
IKKg	1180	AGGAGUACAGCAAAACUGAAGGC	95	antisentido	30807	IKKg:1180L21 ARNip (1162C) stab05	cuucAGuuuGcuGuAcuccTsT	617
IKKg	1408	GUCAUGGAGUGGCAUUGAGUAGGG	96	antisentido	30808	IKKg:1408L21 ARNip (1390C) stab05	cuAcucAAuGcAcuccAuGTsT	618
IL2	28	UAACCCUACAUCUCCUGCCACAAUG	97	con sentido	30809	IL2:30U21 ARNip stab04	B AccucAAcuccuGccAcAATT B	619
IL2	61	AACUCCUGUCUUGCAUUGCACUA	98	con sentido	30810	IL2:63U21 ARNip stab04	B cuucuGucuuGcAuGcAcTT B	620

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
IL2	86	UCUUGCACUUGUCACAAAACAGUG	99	con sentido	30811	IL2:88U21 ARNip stab04	B uuGcAuuGucAAAAcAGTT B	621
IL2	143	AACACAGCUAACUCUGGAGCAUU	100	con sentido	30812	IL2:145U21 ARNip stab04	B cAcAGcuAcAAcuGGAGcATT B	622
IL2	28	UAACCUCAACUCCUGCCACAAUG	97	antisentido	30813	IL2:48L21 ARNip (30C) stab05	uuGuGGcAGGAGuuGAGGuTsT	623
IL2	61	AACUCCUGUCUUGCAUUGCACUA	98	antisentido	30814	IL2:81L21 ARNip (63C) stab05	GuGcAAuGcAAGAcAGGAGTsT	624
IL2	86	UCUUGCACUUGUCACAAAACAGUG	99	antisentido	30815	IL2:106L21 ARNip (88C) stab05	cuGuuuGuGAcAAGGuGcAATsT	625
IL2	143	AACACAGCUACAAACUGGAGCAUU	100	antisentido	30816	IL2:163L21 ARNip (145C) stab05	uGcuuccAGuuGuAGcuGuGTsT	626
IL2	28	UAACCUCAACUCCUGCCACAAUG	97	con sentido	31400	IL2:30U21 ARNip	ACCUCAACUCCUGCCACAATT	627
IL2	61	AACUCCUGUCUUGCAUUGCACUA	98	con sentido	31401	IL2:63U21 ARNip	CUCCUGUCUUGCAUUGCACTT	628
IL2	86	UCUUGCACUUGUCACAAAACAGUG	99	con sentido	31402	IL2:88U21 ARNip	UUGCACUUGUCACAAAACAGTT	629
IL2	143	AACACAGCUAACUCUGGAGCAUU	100	con sentido	31403	IL2:145U21 ARNip	CACAGCUAACUCUGGAGCAATT	630
IL2	28	UAACCUCAACUCCUGCCACAAUG	97	antisentido	31404	IL2:48L21 ARNip (30C)	UUGUGGCAGGAGUUGAGGUTT	631
IL2	61	AACUCCUGUCUUGCAUUGCACUA	98	antisentido	31405	IL2:81L21 ARNip (63C)	GUGCAAUGCAAGACAGGAGTT	632
IL2	86	UCUUGCACUUGUCACAAAACAGUG	99	antisentido	31406	IL2:106L21 ARNip (88C)	CUGUUUGUGACAAAGUGCAATT	633

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
IL2	143	AACACAGCUACACUGGAGCAUU	100	antisentido	31407	IL2:163L21 ARNip (145C)	UGCUCAGUUUGAGCUGUGRT	634
KDR	3074	UGUCCACUUACCUGAGGCAAG	101	con sentido	30785	KDR:3076U21 ARNip stab04	B uccAuuAccuGAGGAcATT B	635
KDR	3852	UUUGAGCAUGGAAGAGGAUUCUG	102	con sentido	30786	KDR:3854U21 ARNip stab04	B uGAGcAuGGAAGAGGAuuuTT B	636
KDR	4087	AUGGUUCUUGCCUCAGAAAGAGCU	103	con sentido	30787	KDR:4089U21 ARNip stab04	B GGuuccuGccucAGAAGAGATT B	637
KDR	4189	UCUGAAGGCUCAAAACCCAGACAAG	104	con sentido	30788	KDR:4191U21 ARNip stab04	B uGAAAGGcucAAAaccAGAcATT B	638
KDR	3074	UGUCCACUUACCUGAGGCAAG	101	antisentido	30789	KDR:3094L21 ARNip (3076C) stab05	uGcuccucAGGuAAAGuGGATsT	639
KDR	3852	UUUGAGCAUGGAAGAGGAUUCUG	102	antisentido	30790	KDR:3872L21 ARNip (3854C) stab05	GAAuccuuccuAuGcucATsT	640
KDR	4087	AUGGUUCUUGCCUCAGAAAGAGCU	103	antisentido	30791	KDR:4107L21 ARNip (4089C) stab05	cucuuuGAGGcAAAGAAccTsT	641
KDR	4189	UCUGAAGGCUCAAAACCCAGACAAG	104	antisentido	30792	KDR:4209L21 ARNip (4191C) stab05	uGucUGGuuuGAGccuuuATsT	642
KDR	3074	UGUCCACUUACCUGAGGCAAG	101	con sentido	31426	KDR:3076U21 ARNip	UCCACUUACCUGAGGAGCATT	643
KDR	3852	UUUGAGCAUGGAAGAGGAUUCUG	102	con sentido	31427	KDR:3854U21 ARNip	UGAGCAUGGAAGAGGAUUUCTT	644

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
KDR	4087	AUGGUUCUUGCCUCAGAAAGAGCU	103	con sentido	31428	KDR:4089U21 ARNip	GGUUCUUGCCUCAGAAAGAGTT	645
KDR	4189	UCUGAAGGCUCUCAAACCCAGACAAG	104	con sentido	31429	KDR:4191U21 ARNip	UGAAGGCUCUCAAACCCAGACATT	646
KDR	3074	UGUCCACUUAUCCUGAGGAGCAAG	101	antisentido	31430	KDR:3094L21 ARNip (3076C)	UGCUCUCCUCAGGUAAAGUGGATT	647
KDR	3852	UUUGAGCAUGGAAAGAGGAUUCUG	102	antisentido	31431	KDR:3872L21 ARNip (3854C)	GAAUCCUCUCCAUUGCUCATT	648
KDR	4087	AUGGUUCUUGCCUCAGAAAGAGCU	103	antisentido	31432	KDR:4107L21 ARNip (4089C)	CUCUUCUGAGGCAAGAACCTT	649
KDR	4189	UCUGAAGGCUCUCAAACCCAGACAAG	104	antisentido	31433	KDR:4209L21 ARNip (4191 C)	UGUCUGGUUUGAGCCUUCATT	650
KDR	3302	UGACCUUGGAGCAUCUCAUCUGU	105	con sentido	31434	KDR:3304U21 ARNip	ACCUUGGAGCAUCAUCUTT	651
KDR	3852	UUUGAGCAUGGAAAGAGGAUUCUG	102	con sentido	31435	KDR:3854U21 ARNip	UGAGCAUGGAAAGAGGAUUCCTT	644
KDR	3892	UCACCUUGUUCUUGUUGGAGGA	106	con sentido	31436	KDR:3894U21 ARNip	ACCUGUUUCCUGUUGGAGTT	652
KDR	3946	GACAACACAGCAGGAUUCAGUCA	107	con sentido	31437	KDR:3948U21 ARNip	CAACACAGCAGGAUUCAGUTT	653
KDR	3302	UGACCUUGGAGCAUCUCAUCUGU	105	antisentido	31438	KDR:3322L21 ARNip (3304C)	AGAUGAGAUUGCUCCAAGGUTT	654
KDR	3852	UUUGAGCAUGGAAAGAGGAUUCUG	102	antisentido	31439	KDR:3872L21 ARNip (3854C)	GAAUCCUCUCCAUUGCUCATT	648

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
KDR	3892	UCACCGUUUCCUGUAGGAGGA	106	antisentido	31440	KDR:3912L21 ARNip (3894C)	CUCCAUACAGGAAACAGGUTT	655
KDR	3946	GACAACACAGCAGGAAUCAGUCA	107	antisentido	31441	KDR:39661.21 ARNip (3948C)	ACUGAUUCCUGCUGUGUUUGTT	656
KRAS2	625	ACAAGACAGGGUGUUGAUGAUGC	108	con sentido	31533	KRAS2:625U21 ARNip	AAGACAGGGUGUUGAUGAUTT	657
KRAS2	625	ACAAGACAGGGUGUUGAUGAUGC	108	con sentido	31533	KRAS2:625U21 ARNip	AAGACAGGGUGUUGAUGAUTT	657
KRAS2	920	UUUCCUCGGAAGUGCCAGUAUCC	109	con sentido	31534	KRAS2:920U21 ARNip	UCCUCGAAGUGCCAGUAUUTT	658
KRAS2	920	UUUCCUCGGAAGUGCCAGUAUCC	109	con sentido	31534	KRAS2:920U21 ARNip	UCCUCGAAGUGCCAGUAUUTT	658
KRAS2	999	AUUUCUGUCUUGGGUUUUUGGU	110	con sentido	31535	KRAS2:999U21 ARNip	UUCUGUCUUGGGUUUUUGTT	659
KRAS2	999	AUUUCUGUCUUGGGUUUUUGGU	110	con sentido	31535	KRAS2:999U21 ARNip	UUCUGUCUUGGGUUUUUGTT	659
KRAS2	1013	GUUUUUGGUGCAUGCAGUUGAUU	111	con sentido	31536	KRAS2:1013U21 ARNip	UUUUGGUGCAUGCAGUUGATT	660
KRAS2	1013	GUUUUUGGUGCAUGCAGUUGAUU	111	con sentido	31536	KRAS2:1013U21 ARNip	UUUUGGUGCAUGCAGUUGATT	660
KRAS2	643	ACAAGACAGGGUGUUGAUGAUGC	108	antisentido	31537	KRAS2:643L21 ARNip (625C)	AUCAUCAACACCCUGUCUUTT	661
KRAS2	643	ACAAGACAGGGUGUUGAUGAUGC	108	antisentido	31537	KRAS2:643L21 ARNip (625C)	AUCAUCAACACCCUGUCUUTT	661

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
KRAS2	938	UUUCCUCGAAGUGCCAGUAUUC	109	antisentido	31538	KRAS2:938L21 ARNip (920C)	AAUACUGGCACUUCGAGGATT	662
KRAS2	938	UUUCCUCGAAGUGCCAGUAUUC	109	antisentido	31538	KRAS2:938L21 ARNip (920C)	AAUACUGGCACUUCGAGGATT	662
KRAS2	1017	AUUUCUGUCUUGGGGUUUUUGGU J	110	antisentido	31539	KRAS2:1017L21 ARNip (999C)	CAAAAACCCCCAAGACAGAAATT	663
KRAS2	1017	AUUUCUGUCUUGGGGUUUUUGGU J	110	antisentido	31539	KRAS2:1017L21 ARNip (999C)	CAAAAACCCCCAAGACAGAAATT	663
KRAS2	1031	GUUUUUGGUGCAUGCAGUUGAUU	111	antisentido	31540	KRAS2:1031L21 ARNip (1013C)	UCAAACUGCAUGCACCACAAAAATT	664
KRAS2	1031	GUUUUUGGUGCAUGCAGUUGAUU	111	antisentido	31540	KRAS2:1031L21 ARNip (1013C)	UCAAACUGCAUGCACCACAAAAATT	664
MAPK1	424	ACCAGACCUACUGCCAGAGAAC	112	con sentido	30817	MAPK1:424U21 ARNip stab04	B cAGAccuAcuGccAGAGAAATT B	665
MAPK1	778	AUCACACAGGGUUCUGACAGAA	113	con sentido	30818	MAPK1:778U21 ARNip stab04	B cAcAcAGGGGuuccuGAcAGTT B	666
MAPK1	1718	UUGGCUCUAGUCACUGGCAUCUC	114	con sentido	30819	MAPK1:1718U21 ARNip stab04	B GGuucuAGucAcuGGcAucTT B	667
MAPK1	2525	ACUGUGGAGUUGACUCCGUUGUUC	115	con sentido	30820	MAPK1:2525U21 ARNip stab04	B uGuGGAGuuGAucGGGuGuTT B	668

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
MAPK1	442	ACCAGACCUACUGCCAGAGAACC	112	antisentido	30821	MAPK1:442L21 ARNip (424C) stab05	uucucuGGcAGuAGGucuGTsT	669
MAPK1	796	AUCACACAGGGUUCUCCUGACAGAA	113	antisentido	30822	MAPK1:796L21 ARNip (778C) stab05	cuGucAGGAAcccuGuGuGTsT	670
MAPK1	1736	UUGGCUCUAGUCACUGGGCAUCUC	114	antisentido	30823	MAPK1:1736L21 ARNip (1718C) stab05	GAuGccAGuGAcuAGAGccTsT	671
MAPK1	2543	ACUGUGGAGUUGACUCGGUGUUC	115	antisentido	30824	MAPK1:2543L21 ARNip (2525C) stab05	AcAccGAGucAAcuccAcATsT	672
MAPK1 4	1280	GCCUACUUUGCUCAGUACCACGA	116	con sentido	31586	MAPK14:1280U21 ARNip	CUACUUUGCUCAGUACCACCTT	673
MAPK1 4	1611	UGUCUGUCUUUGUGGGAGGGUAA	117	con sentido	31587	MAPK14:1611U21 ARNip	UCUGUCUUUGUGGGAGGGGUTT	674
MAPK1 4	2884	AAAAGGGUCUUCUUGGCAGCUUA	118	sens	31588	MAPK14:2884U21 ARNip	AAGGGUCUUCUUGGCAGCUTT	675
MAPK1 4	3556	GGACUCUAAGCUGGAGCUCUUGG	119	con sentido	31589	MAPK14:3556U21 ARNip	ACUCUAAAGCUGGAGCUCUUTT	676
MAPK1 4	1298	GCCUACUUUGCUCAGUACCACGA	116	antisentido	31590	MAPK14:1298L21 ARNip (1280C)	GUGGUACUGAGCAAAAGUAGTT	677
MAPK1 4	1629	UGUCUGUCUUUGUGGGAGGGUAA	117	antisentido	31591	MAPK14:1629L21 ARNip (1611C)	ACCCUCCCCACAAAGACAGATr	678
MAPK1	2902	AAAAGGGUCUUCUUGGCAGCUUA	118	antisentido	31592	MAPK14:2902L21 ARNip (2884C)	AGCUGCCCAAGAAGACCCUUTT	679

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
MAPK1 4	3574	GGACUCUAAGCUGGAGCUCUUGG	119	antisentido	31593	MAPK14:3574L21 ARNip (3556C)	AAGAGCUCAGCUCUAGAGUTT	680
MAPK8	733	AACAGCUUGGAACACCAUGUCCU	120	con sentido	31517	MAPK8:735U21 ARNip	CAGCUUGGAACACCAUGUCTT	681
MAPK8	853	UUUUCCCAGCUGACUCAGAACAC	121	con sentido	31518	MAPK8:855U21 ARNip	UUCCCAGCUGACUCAGAACTT	682
MAPK8	1224	CAAUGUCAACAGAUCCGACUUUG	122	con sentido	31519	MAPK8:1226U21 ARNip	AUGUCAACAGAUCCGACUUUTT	683
MAPK8	1242	CUUUGGCCUCUGAUACAGACAGC	123	con sentido	31520	MAPK8:1244U21 ARNip	UUGGCCUCUGAUACAGACATT	684
MAPK8	733	AACAGCUUGGAACACCAUGUCCU	120	antisentido	31521	MAPK8:753L21 ARNip (735C)	GACAUGGUGUUCCAAGCUGTT	685
MAPK8	853	UUUJCCCAGCUGACUCAGAACAC	121	antisentido	31522	MAPK8:873L21 ARNip (855C)	GUUCUGAGUCAGCUGGGAATT	686
MAPKB	1224	CAAUGUCAACAGAUCCGACUUUG	122	antisentido	31523	MAPK8:1244L21 ARNip (1226C)	AAGUCGGAUCUGUUGACAUTT	687
MAPK8	1242	CUUUGGCCUCUGAUACAGACAGC	123	antisentido	31524	MAPK8:1262L21 ARNip (1244C)	UGUCUGUAUCAGAGGCCAATT	688
MYB	146	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	30977	MYB:148U21 ARNip stab04	B GuGAGGAGGAUGAUAGAGATT B	689
MYB	455	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	30978	MYB:457U21 ARNip stab04	B GGGuGGuuAuGccAAGcATT B	690

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
MYB	706	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	30979	MYB:708U21 ARNip stab04	B cuGcAGGAGUcuuucAAAAAGTT B	691
MYB	1051	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	30980	MYB:1053U21 ARNip stab04	B GuGcuAcccAacAcAGAAccTT B	692
MYB	146	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30981	MYB:166L21 ARNip (148C) stab05	uccucAucAuccucGucAcTsT	693
MYB	455	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30982	MYB:475L21 ARNip (457C) stab05	uGcuuGGcAAuAAcAcAGAccTsT	694
MYB	706	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30983	MYB:726L21 ARNip (708C) stab05	cuuuuGAAAGAcuccuGcAGTsT	695
MYB	1051	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30984	MYB:1071L21 ARNip (1053C) stab05	GGuucGuGuuGGuAGcAcTsT	696
MYB	146	CAGUGACGAGGAUGAUGAGGACU	124	con sentido	31025	MYB:148U21 ARNip	GUGACGAGGAUGAUGAGGATT	697
MYB	455	UUGGUCUGUUAUUGCCCAAGCACU	125	con sentido	31026	MYB:457U21 ARNip	GGUCUGUUAUUGCCCAAGCATT	698
MYB	706	AUCUGCAGGAGUCUUCAAAAAGCC	126	con sentido	31027	MYB:708U21 ARNip	CUGCAGGAGUCUUCAAAAAGTT	699
MYB	1051	AGGUGCUACCAACACAGAACCCAC	127	con sentido	31028	MYB:1053U21 ARNip	GUGCUACCAACACAGAACCTT	700
MYB	146	CAGUGACGAGGAUGAUGAGGACU	124	antisentido	31101	MYB:166L21 ARNip (148C)	UCCUCAUCAUCCUCGUCACTT	701
MYB	455	UUGGUCUGUUAUUGCCCAAGCACU	125	antisentido	31102	MYB:475L21 ARNip (457C)	UGCUGGCAUAUAACAGACCTT	702

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
MYB	706	AUCUGCAGGAGUCUCAAAGGCC	126	antisentido	31103	MYB:726L21 ARNip (708C)	CUUUUGAAGACUCCUGCAGTT	703
MYB	1051	AGGUGCUACCAACACAGAACCAC	127	antisentido	31104	MYB:1071 L21 ARNip (1053C)	GGUUCUGUGUUUGGUAGCAGTT	704
MYC	1524	CAAGAGGGUCAAAGUUGGACAGUG	128	con sentido	30825	MYC:1b26U21 ARNip stab04	B AGAGGGUcAAGuuGGAcAGTT B	705
MYC	1778	AAGCAGAGGAGCAAAAAGCUCUAUU	129	con sentido	30826	MYC:1780U21 ARNip stab04	B GcAGAGGAGcAAAAAGcucATT B	706
MYC	1859	UACGGAACUCUUGUGCGUAAGGA	130	con sentido	30827	MYC:1861 U21 ARNip stab04	B cGGAAcucuuGuGcGuAAAGTT B	707
MYC	1969	ACAACCUUGGCUGAGUCUUGAGA	131	con sentido	30828	MYC:1971U21 ARNip stab04	B AAccuuGGcuGAGucuuGATT 13	708
MYC	1524	CAAGAGGGUCAAGUUGGACAGUG	128	antisentido	30829	MYC:1544L21 ARNip (1526C) stab05	cuGuccAAcuuGAcccucuTsT	709
MYC	1778	AAGCAGAGGAGCAAAAAGCUCUAUU	129	antisentido	30830	MYC:1798L21 ARNip (1780C) stab05	uGAGGcuuuuGcuccucuGcTsT	710
MYC	1859	UACGGAACUCUUGUGCGUAAGGA	130	antisentido	30831	MYC:1879L21 ARNip (1861C) stab05	cuuAcGcAcAAGAGGuuccGTsT	711
MYC	1969	ACAACCUUGGCUGAGUCUUGAGA	131	antisentido	30832	MYC:1989L21 ARNip (1971 C) stab05	ucAAGAcucAGccAAAGGuuTsT	712
MYC	1524	CAAGAGGGUCAAGUUGGACAGUG	128	con sentido	30993	MYC:1526U21 ARNip	AGAGGGUCAAGUUGGACAGTT	713

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
MYC	1778	AAGCAGAGGAGCAAAAGCUCAUU	129	con sentido	30994	MYC:1780U21 ARNip	GCAGAGGAGCAAAAGCUCATT	714
MYC	1859	UACGGAACUCUUGUGCGUAAGGA	130	con sentido	30995	MYC:1861U21 ARNip	CGGAACUCUUGUGCGUAAGTT	715
MYC	1969	ACAACCUUGGCUGAGUCUUGAGA	131	con sentido	30996	MYC:1971 U21 ARNip	AACCUUGGCUGAGUCUUGATT	716
MYC	1524	CAAGAGGGUCAAGUUGGACAGUG	128	antisentido	31069	MYC:1544L21 ARNip (1526C)	CUGUCCAACUUGACCCUCUTT	717
MYC	1778	AAGCAGAGGAGCAAAAGCUCAUU	129	antisentido	31070	MYC:1798L21 ARNip (1780C)	UGAGCUUUUUGCUCUCCUGCTT	718
MYC	1859	UACGGAACUCUUGUGCGUAAGGA	130	antisentido	31071	MYC: 1879L21 ARNip (1861 C)	CUUACGCACAAAGAGUUCGTT	719
MYC	1969	ACAACCUUGGCUGAGUCUUGAGA	131	antisentido	31072	MYC:1989L21 ARNip (1971C)	UCAAGACUCAGCCAAAGGUUTT	720
MYC	1969	ACAACCUUGGCUGAGUCUUGAGA	131	con sentido	31377	MYC:1971 U21 ARNip stab04	B AAccuuGGcuGAGucuuGATT B	708
MYC	1969	ACAACCUUGGCUGAGUCUUGAGA	131	antisentido	31380	MYC:1989L21 ARNip (1971C) stab05	ucAAGAcucAGccAAGGuuTsT	712
MYC	1969	ACAACCUUGGCUGAGUCUUGAGA	131	con sentido	31383	MYC:1971U21 ARNip stab07	B AAccuuGGcuGAGucuuGATT B	721
MYC	1969	ACAACCUUGGCUGAGUCUUGAGA	131	antisentido	31386	MYC:1989L21 ARNip (1971C) stab11	ucAAGAcucAGccAAGGuuTsT	722

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
MYC	1969	ACAACCUUGGCUGAGUCUUGAGA	131	con sentido	31389	MYC:1971U21 ARNip inv stab04	B AGuucuGAGucGGuuccAATT B	723
MYC	1969	ACAACCUUGGCUGAGUCUUGAGA	131	antisentido	31392	MYC:1989L21 ARNip (1971C) inv stab05	uuGGAAccGAcucAGAAcuTsT	724
MYC	1969	ACAACCUUGGCUGAGUCUUGAGA	131	con sentido	31395	MYC:1971 U21 ARNip inv stab07	B AGuucuGAGucGGuuccAATT B	725
MYC	1969	ACAACCUUGGCUGAGUCUUGAGA	131	antisentido	31398	MYC:1989L21 ARNip (1971C) inv stab11	uuGGAAccGAcucAGAAcuTsT	726
Nogo	1043	UCGUUCAGUGUCUCUCCAAAAGC	132	con sentido	30833	Nogo:1043U21 ARNip stab04	B GuucAGuGucucuccAAAAATT B	727
Nogo	1407	GUUUUGCAGAUAGCCUUGAGCAA	133	con sentido	30834	Nogo:1407U21 ARNip stab04	B uuuGcAGAuAGccuuGAGcTT B	728
Nogo	3211	AUCCUGCUGCUUUAUUGACAG	134	con sentido	30835	Nogo:3211 U21 ARNip stab04	B uccuGcuGcuuuuAuuGAcTT B	729
Nogo	3883	UUGACUGCCAUUGUUAUCAUUC	135	con sentido	30836	Nogo: 3883U21 ARNip stab04	B GAcuGccAuGuGuucAucATT B	730
Nogo	1061	UCGUUCAGUGUCUCUCCAAAAGC	132	antisentido	30837	Nogo:1061L21 ARNip (1043C) stab05	uuuuGGAGAGAcuGAAcTsT	731
Nogo	1425	GUUUUGCAGAUAGCCUUGAGCAA	133	antisentido	30838	Nogo:1425L21 ARNip (1407C) stab05	GcucAAGGGuAuuGcAAATsT	732

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
Nogo	3229	AUUCUGCUGCUUUAUUGACAG	134	antisentido	30839	Nogo:3229L21 ARNip (3211 C) stab05	GucAAuGAAAGcAGcAGGATsT	733
Nogo	3901	UUGACUGCCAUGUGUUAUCAUC	135	antisentido	30840	Nogo:3901L21 ARNip (3883C) stab05	uGAuGAAcAcAuGGcAGuGcTsT	734
NOGO R	510	CCCUGCAGUACCUUACCUUGCAG	136	con sentido	31057	NogoR:512U21 ARNip	CUGCAGUACCUUACCUUGCTT	735
NOGO R	660	ACCGUCUCCUACUGCACCAGAAC	137	con sentido	31058	NogoR:662U21 ARNip	CGUCUCCUACUGCACCAGATT	736
NOGO R	1084	ACUGGAGCCUGGAAGACCAGCUU	138	con sentido	31059	NogoR:1086U21 ARNip	UGGAGCCUGGAAGACCAGCTT	737
NOGO R	1369	UGGUGACUCAGAAGGCUCAGGUG	139	con sentido	31060	NogoR:1371U21 ARNip	GUGACUCAGAAGGCUCAGGTT	738
NOGO R	510	CCCUGCAGUACCUUACCUUGCAG	136	antisentido	31133	NogoR:530L21 ARNip (512C)	GCAGGUAGAGGUACUGCAGTT	739
NOGO R	660	ACCGUCUCCUACUGCACCAGAAC	137	antisentido	31134	NogoR:680L21 ARNip	UCUGGUGCAGUAGGAGACGTT	740
NOGO R	1084	ACUGGAGCCUGGAAGACCAGCUU	138	antisentido	31135	(662C) NogoR: 1104L21 ARNip	GCUGGUUCCUCCAGGUCCATT	741
NOGO R	1369	UGGUGACUCAGAAGGCUCAGGUG	139	antisentido	31136	(1086C) NogoR: 1389L21 ARNip (1371C)	CCUGAGCCUUCUGAGUCACTT	742
PCNA	548	UUUGCACGUAUAUAGCCGAGAUCU	140	con sentido	30841	PCNA:550U21 ARNip stab04	B uGcAcGuAuAuGccGAGAuTT B	743
PCNA	572	AGCCAUUUGGAGAUAGCUGUUGU	141	con sentido	30842	PCNA:574U21 ARNip stab04	B ccAuAuGGAGAuGcuGuuTT B	744

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
PCNA	837	AAAUUGCGGAUAUUGGGACACUUA	142	con sentido	30844	PCNA:839U21 ARNip stab04	B AuuGcGGAAuAuGGGAcAcuTT B	745
PCNA	548	UUUGCACGUAUAUUGCCGAGAUUCU	140	antisentido	30845	PCNA:568L21 ARNip (550C) stab05	AucucGGcAuAuAcGuGcATsT	746
PCNA	572	AGCCAUUUUGGAGAUUGCUGUUUGU	141	antisentido	30846	PCNA:592L21 ARNip (574C) stab05	AAcAGcAucuccAAuAuGGTsT	747
PCNA	837	AAAUUGCGGAUAUUGGGACACUUA	142	antisentido	30848	PCNA:857L21 ARNip (839C) stab05	AGuGucccAuAuuccGcAAuTsT	748
PCNA	548	UUUGCACGUAUAUUGCCGAGAUUCU	140	con sentido	31033	PCNA:550U21 ARNip	UGCACGUUAUUGCCGAGAUUT	749
PCNA	572	AGCCAUUUUGGAGAUUGCUGUUUGU	141	con sentido	31034	PCNA:574U21 ARNip	CCAUUUUGGAGAUUGCUGUUTT	750
PCNA	765	CAAAAGCCACUCCACUCUCUUA	143	con sentido	31035	PCNA:767U21 ARNip	AAAGCCACUCCACUCUCUUTT	751
PCNA	837	AAAUUGCGGAUAUUGGGACACUUA	142	con sentido	31036	PCNA:839U21 ARNip	AUUGCGGAUAUUGGGACACUTT	752
PCNA	548	UUUGCACGUAUAUUGCCGAGAUUCU	140	antisentido	31109	PCNA:568L21 ARNip (550C)	AUCUCGGCAUAUACGUGCATT	753
PCNA	572	AGCCAUUUUGGAGAUUGCUGUUUGU	141	antisentido	31110	PCNA:592L21 ARNip (574C)	AACAGCAUCUCCAAUAUUGGTT	754
PCNA	765	CAAAAGCCACUCCACUCUCUUA	143	antisentido	31111	PCNA:785L21	AAGAGAGUGGAGUGGCUUUTT	755
PCNA	837	AAAUUGCGGAUAUUGGGACACUUA	142	antisentido	31112	PCNA:857L21 ARNip (839C)	AGUGUCCCAUAUCCGCAUUTT	756

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
PCNA	765	CAAAAGCCACUCCACUCUCUUA	143	con sentido	31310	PCNA:767U21 ARNip stab04	B AAAGccAuceAcucucuuTT B	757
PCNA	765	CAAAAGCCACUCCACUCUCUUA	143	antisentido	31311	PCNA:785L21 ARNip (767C) stab05	AAGAGAGuGGAGuGGGuuuTsT	758
PCNA	765	CAAAAGCCACUCCACUCUCUUA	143	con sentido	31322	PCNA:767U21 ARNip inv stab04	B uuucucAccucAccGAAATT B	759
PCNA	765	CAAAAGCCACUCCACUCUCUUA	143	antisentido	31323	PCNA:785L21 ARNip (767C) inv stab05	uuucGGuGAGGuGAGAGAAATsT	760
PKR	533	UUCAGGACCUCUCCACAUUAUAGGA	144	con sentido	30969	PKR:533U21 ARNip stab04	B cAGGAccuccAcAuGAuAGTT B	761
PKR	533	UUCAGGACCUCUCCACAUUAUAGGA	144	con sentido	30969	PKR:533U21 ARNip stab04	B cAGGAccuccAcAuGAuAGTT B	761
PKR	1171	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	30970	PKR:1171U21 ARNip stab04	B AGAuuuGAccuuuccuGAcATT B	762
PKR	1171	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	30970	PKR:1171U21 ARNip stab04	B AGAuuuGAccuuuccuGAcATT B	762
PKR	1171	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	30970	PKR:1171U21 ARNip stab04	B AGAuuuGAccuuuccuGAcATT B	762
PKR	1171	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	30970	PKR:1171 U21 ARNip stab04	<u>B AGAuuuGAccuuuccuGAcATT B</u>	762

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
PKR	2430	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	30971	PKR:2430U21 ARNip stab04	B uGAGuAGcuGGAuuAcAGGTT B	763
PKR	2430	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	30971	PKR:2430U21 ARNip stab04	B uGAGuAGcuGGAuuAcAGGTT B	763
PKR	2518	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	30972	PKR:2518U21 ARNip stab04	B GGucucAAAacuccuGAccuTT B	764
PKR	2518	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	con sentido	30972	PKR:2518U21 ARNip stab04	B GGucucAAAacuccuGAccuTT B	764
PKR	551	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30973	PKR:551L21 ARNip (533C) stab05	cuAucAuGuGGAGGuccuGTsT	765
PKR	551	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30973	PKR:551L21 ARNip (533C) stab05	cuAucAuGuGGAGGuccuGTsT	765
PKR	1189	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30974	PKR:1189L21 ARNip (1171 C) stab05	uGucAGGAAAGGucAAAucuTsT	766
PKR	1189	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30974	PKR:1189L21 ARNip (1171C) stab05	uGucAGGAAAGGucAAAucuTsT	766
PKR	2448	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30975	PKR:2448L21 ARNip (2430C) stab05	ccuGuAAuccAGcuAcucATsT	767
PKR	2448	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30975	PKR:2448L21 ARNip (2430C) stab05	ccuGuAAuccAGcuAcucATsT	767

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
PKR	2536	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30976	PKR:2536L21 ARNip (2518C) stab05	AGGucAGGAGuuuGAGAccTsT	768
PKR	2536	AACAACCCACAAAAUACAACAAGA	57	antisentido	30976	PKR:2536L21 ARNip (2518C) stab05	AGGucAGGAGuuuGAGAccTsT	768
PRKCA	517	CUAAAGGCUGAGGUUGCUGAUGA	145	con sentido	30713	PRKCA:519U21	B AAAGGcuGAGGGuuGauGauTT B	769
PRKCA	998	GGAAACAACCUUCCACAACCUU	146	con sentido	30714	PRKCA:1000U21 ARNip stab04	B AAACAaccuuccAAcAAccTT B	770
PRKCA	1734	CAAAGGACUGAUGACCAAACACC	147	con sentido	30716	PRKCA:1736U21 ARNip stab04	B AAGGAcuGauGAccAAAcATT B	771
PRKCA	517	CUAAAGGCUGAGGUUGCUGAUGA	145	antisentido	30717	PRKCA:537L21 ARNip (519C) stab05	AucAGcAAccucAGccuuuTsT	772
PRKCA	998	GGAAACAACCUUCCACAACCUU	146	antisentido	30718	PRKCA:1018L21 ARNip (1000C) stab05	GGuuGuuGGAAAGGuuGuuuTsT	773
PRKCA	1734	CAAAGGACUGAUGACCAAACACC	147	antisentido	30720	PRKCA:1754L21 ARNip (1736C) stab05	uGuuuGGucAucAGuccuuTsT	774
PRKCA	517	CUAAAGGCUGAGGUUGCUGAUGA	145	con sentido	30989	PRKCA:519U21 ARNip	AAAGGCUGAGGUUGCUGAUTT	775
PRKCA	998	GGAAACAACCUUCCACAACCUU	146	con sentido	30990	IPRKCA:1000U21 ARNip	AAACAACCUUCCACAACCTT	776
PRKCA	1141	AAGGAUGUGGUGAUUCAGGAUGA	148	con sentido	30991	PRKCA:1143U21 ARNip	GGAUGUGGUGAUUCAGGAUTT	777
PRKCA	1734	CAAAGGACUGAUGACCAAACACC	147	con sentido	30992	PRKCA:1736U21 ARNip	AAGGACUGAUGACCAAACATT	778

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
PRKCA	517	CUAAAGGCUGAGGUUGCUGAUGA	145	antisentido	31065	PRKCA:537L21 ARNip (519C)	AUCAGCAACCUCAGCCUUUTT	779
PRKCA	998	GGAAACAACCUUCCAAACAACCUU	146	antisentido	31066	PRKCA:1018L21 ARNip (1000C)	GGUUGUUGGAAAGGUUGUUUTT	780
PRKCA	1141	AAGGAUGUGGUGAUUCAGGAUGA	148	antisentido	31067	PRKCA:1161L21 ARNip (1143C)	AUCCUGAAUACACCACAUCCTT	781
PRKCA	1734	CAAAGGACUGAUGACCAACACAC	147	antisentido	31068	PRKCA:1754L21	UGUUUGGUCAUCAGUCCUUUTT	782
PRKCA	1141	AAGGAUGUGGUGAUUCAGGAUGA	148	con sentido	31376	PRKCA:1143U21 ARNip stab04	B GGAUGuGGuGAuucAGGAuTT B	783
PRKCA	1141	AAGGAUGUGGUGAUUCAGGAUGA	148	antisentido	31379	PRKCA:1161L21 ARNip (1143C) stab05	AuccuGAAuucAccAcAuccTsT	784
PRKCA	1141	AAGGAUGUGGUGAUUCAGGAUGA	148	con sentido	31382	PRKCA:1143U21 ARNip stab07	B GGAUGuGGuGAuucAGGAuTT B	785
PRKCA	1141	AAGGAUGUGGUGAUUCAGGAUGA	148	antisentido	31385	PRKCA:1161L21 ARNip (1143C) stab11	AuccuGAAuucAccAcAuccTsT	786
PRKCA	1141	AAGGAUGUGGUGAUUCAGGAUGA	148	con sentido	31388	PRKCA:1143U21 ARNip inv stab04	B uAGGAcuuAGuGGuGuAGGTT B	787
PRKCA	1141	AAGGAUGUGGUGAUUCAGGAUGA	148	antisentido	31391	PRKCA:1161L21 ARNip (1143C) inv stab05	ccuAcAccAuuAAGuccuATsT	788
PRKCA	1141	AAGGAUGUGGUGAUUCAGGAUGA	148	con sentido	31394	PRKCA:1143U21 ARNip inv stab07	B uAGGAcuuAGuGGuGuAGGTT B	789

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
PRKCA	1141	AAGGAUGUGGUGAUUCAGGAUGA	148	antisentido	31397	PRKCA:1161L21 ARNip (1143C) inv stab11	ccuAcAccAcuAAAGuccuATsT	790
PTP4A 3	205	AUCUCGUUUUCUCUUGGACAAGCA	149	con sentido	31557	PTP4A3:205U21 ARNip	CUCGUUUUCUCUUGGACAAGTT	791
PTP4A 3	367	GAGGUGAGCUACAAACACAUGCG	150	con sentido	31558	PTP4A3:367U21 ARNip	GGUGAGCUACAAACACAUGTT	792
PTP4A 3	574	GUAGUGGAAGACUGGCUGAGCCU	151	con sentido	31559	PTP4A3:574U21 ARNip	AGUGGAAGACUGGCUGAGCTT	793
PTP4A 3	1168	CUCCUCUAGCCUGUUUGUUGG	152	con sentido	31560	PTP4A3:1168U21 ARNip	CCUCUAGCCUGUUUGUUGTT	794
PTP4A 3	223	AUCUCGUUUUCUCUUGGACAAGCA	149	antisentido	31561	PTP4A3:223L21siRNA (205C)	CUUGUCCAAGAGAAAACGAGTT	795
PTP4A 3	385	GAGGUGAGCUACAAACACAUGCG	150	antisentido	31562	PTP4A3:385L21 ARNip (367C)	CAUGUGUUUGUAGCUCACCTT	796
PTP4A 3	592	GUAGUGGAAGACUGGCUGAGCCU	151	antisentido	31563	PTP4A3:592L21 ARNip (574C)	GCUCAGCCAGUCUUCACUTT	797
PTP4A 3	1186	CUCCUCUAGCCUGUUUGUUGG	152	antisentido	31564	PTP4A3:1186L21 ARNip (1168C)	ACAACAAACAGGCUAGAGGTT	798
PTPN1	240	UAUCCGACAUGAAGCCAGUGACU	153	con sentido	30865	PTPN1:242U21 ARNip stab04	B uccGAcAuGAAGccAGuGATT B	799
PTPN1	872	UGCUGAUGGACAAAGGAAAGAC	154	con sentido	30867	PTPN1:874U21 ARNip stab04	B cuGauGGAcAAAGGAAAGTT B	800
PTPN1	3035	AGGUGUGGAUAGGCCUAGGUGC	155	con sentido	30868	PTPN1:3037U21 ARNip stab04	B GuGUGGauAAGGcuuAGGuTT B	801

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
PTPN1	240	UAUCCGACAUGAAGCCAGUGACU	153	antisentido	30869	PTPN1:260L21 ARNip (242C) stab05	ucAcuGGcuucAuGucGGATsT	802
PTPN1	872	UGCUGAUGGACAAAGAGGAAAGAC	154	antisentido	30871	PTPN1:892L21 ARNip (874C) stab05	cuuuuccucuuGuccAucAGTsT	803
PTPN1	3035	AGGUGUGGAUAAGGCUUAGGUGC	155	antisentido	30872	PTPN1:3055L21 ARNip (3037C) stab05	AccuAAGccuuAuccAcAcTsT	804
PTPN1	240	UAUCCGACAUGAAGCCAGUGACU	153	con sentido	31017	PTPN1:242U21 ARNip	UCCGACAUGAAGCCAGUGATT	805
PTPN1	764	AAGUCCGAGAGUCAGGGUCACUC	156	con sentido	31018	PTPN1:766U21 ARNip	GUCCGAGAGUCAGGGUCAC TT	806
PTPN1	872	UGCUGAUGGACAAAGAGGAAAGAC	154	con sentido	31019	PTPN1:874U21 ARNip	CUGAUGGACAAAGAGGAAAATT	807
PTPN1	3035	AGGUGUGGAUAAGGCUUAGGUGC	155	con sentido	31020	PTPN1:3037U21	GUGUGGAUAAGGCUUAGGUTT	808
PTPN1	240	UAUCCGACAUGAAGCCAGUGACU	153	antisentido	31093	F PTPN1:260L21 ARNip (242C)	UCACUGGCUUCAUGUCGGATT	809
PTPN1	764	AAGUCCGAGAGUCAGGGUCACUC	156	antisentido	31094	PTPN1:784L21 ARNip (766C)	GUGACCCUGACUCUCGGACTT	810
PTPN1	872	UGCUGAUGGACAAAGAGGAAAGAC	154	antisentido	31095	PTPN1:892L21 ARNip (874C)	CUUUCUUCUUGUCCAUCAGTT	811
PTPN1	3035	AGGUGUGGAUAAGGCUUAGGUGC	155	antisentido	31096	PTPN1:3055L21 ARNip (3037C)	ACCUAAGCCUUUAUCCACACTT	812
PTPN1	764	AAGUCCGAGAGUCAGGGUCACUC	156	con sentido	31306	PTPN1:766U21 ARNip stab04	B GuccGAGAGucAGGGucAcTT B	813

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
PTPN1	764	AAGUCCGAGAGUCAGGGUCACUC	156	antisentido	31307	PTPN1:784L21 ARNip (766C) stab05	GuGAcccuGAcucucGGAcTsT	814
PTPN1	764	AAGUCCGAGAGUCAGGGUCACUC	156	con sentido	31318	PTPN1:766U21 ARNip inv stab04	B cAcuGGGAcuGAGAGccuGTT B	815
PTPN1	764	AAGUCCGAGAGUCAGGGUCACUC	156	antisentido	31319	PTPN1:784L21 ARNip (766C) inv stab05	cAGGcucucAGucccAGuGTsT	816
RAF1	1326	AAAACACGGCAUGUGAACAUUCU	157	con sentido	31549	RAF1:1326U21 ARNip	AACACGGCAUGUGAACAUUTT	817
RAF1	1415	CCUCUACAAACACCCUGCAUGUCC	158	con sentido	31550	RAF1:1415U21 ARNip	UCUACAAACACCCUGCAUGUTT	818
RAF1	1776	UCUCACAUC AACACCGAGAUCA	159	con sentido	31551	RAF1:1776U21 ARNip	UCACAUC AACACCCGAGAU TT	819
RAF1	2854	CAAGGAAGCCAGGAUACAGGUU	160	con sentido	31552	RAF1:2854U21 ARNip	AGGAAGCCAGGAUACAGGTT	820
RAF1	1344	AAAACACGGCAUGUGAACAUUCU	157	antisentido	31553	RAF1:1344L21 ARNip (1326C)	AAUGUUACACAUGCCCGUGUUTT	821
RAF1	1433	CCUCUACAAACACCCUGCAUGUCC	158	antisentido	315541	RAF1:1433L21 ARNip (1415C)	ACAU GCAGGUGUUUGUAGATT	822
RAF1	1794	UCUCACAUC AACACCGAGAUCA	159	antisentido	31555	RAF1:1794L21 ARNip (1776C)	AUCUCGGUUGUUGAUGUGATT	823
RAF1	2872	CAAGGAAGCCAGGAUACAGGUU	160	antisentido	31556	RAF1:2872L21 ARNip (2854C)	CCUGUAUCCUGGCCUUCUUTT	824
RELA	144	GAGAGGAGCACAGAUACCACCAA	161	con sentido	31029	ReLA:146U21 ARNip	GAGGAGCACAGAUACCACCTT	825

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
RELA	288	GAUGGCUUCUAUGAGGCUGAGCU	162	con sentido	31030	RelA:290U21 ARNip	UGGCUUCUAUGAGGCUGAGTT	826
RELA	643	UGUGUGACAAGGUGCAGAAAAGAG	163	con sentido	31031	RelA:645U21 ARNip	UGUGACAAGGUGCAGAAAAGTT	827
RELA	1955	UCCUCCAGCUUCUGGUACUCUCC	164	con sentido	31032	RelA:1957U21 ARNip	CUCCAGCUUCUGGUACUCUTT	828
RELA	144	GAGAGGAGCACAGAUACCACCAA	161	antisentido	31105	RelA:164L21 ARNip (146C)	GGUGGUUAUCUGUGCUCCUCTT	829
RELA	288	GAUGGCUUCUAUGAGGCUGAGCU	162	antisentido	31106	RelA:308L21 ARNip (290C)	CUCAGCCUCAUAGAAGCCATT	830
RELA	643	GAUGGCUUCUAUGAGGCUGAGCU	163	antisentido	31107	RelA:663L21 ARNip (645C)	CUCAGCCUCAUAGAAGCCATT	831
RELA	1955	UGUGUGACAAGGUGCAGAAAAGAG	164	antisentido	31108	RelA:1975L21 ARNip (1957C)	CUUUCUGCACCCUUGUCACATT	832
RELA	1955	UCCUCCAGCUUCUGGUACUCUCC	164	con sentido	31308	RelA:1957U21 ARNip stab04	AGAGUACCAGAAGCUGGAGTT	833
RELA	1955	UCCUCCAGCUUCUGGUACUCUCC	164	antisentido	31309	RelA:1975L21 ARNip (1957C) stab05	B cuccAGcuucuGGuAcucuTT B	834
RELA	1955	UCCUCCAGCUUCUGGUACUCUCC	164	con sentido	31320	REL A:1957U21	AGAGuAccAGAAAGGuGGAGTsT	835
RELA	1955	UCCUCCAGCUUCUGGUACUCUCC	164	antisentido	31321	REL A:1975L21 ARNip (1957C) inv stab05	GAGGucGAAGAccAuGAGATsT	836
SCD	993	GAUAUGCUGUGGUGCUUAAUGCC	165	con sentido	30873	SCD:995U21 ARNip stab04	B uAuGcuGuGGuGcuuAAuGTT B	837

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
SCD	2518	ACUGCUGGACAUAGAUUGGAGAG	166	con sentido	30874	SCD:2520U21 ARNip stab04	B uGcuGGAcAuGAGAuGGAGTT B	838
SCD	3783	UAGAGGCUACAGGGGUUAGCCUG	167	con sentido	30875	SCD:3785U21 ARNip stab04	B GAGGcuAcAGGGGUuAGccTT B	839
SCD	4772	CUGACCUACCUCAAAAGGGCAGUU	168	con sentido	30876	SCD:4774U21 ARNip stab04	B GAccuAccucAAAAGGGcAGTT B	840
SCD	993	GAUAUGCUGUGGUGCUUAAUGCC	165	antisentido	30877	SCD:1013L21 ARNip (995C) stab05	cAuuAAGcAccAcAcGcAuATsT	841
SCD	2518	ACUGCUGGACAUAGAUUGGAGAG	166	antisentido	30878	SCD:2538L21 ARNip (2520C) stab05	cuccAucucAuGuccAGcATsT	842
SCD	3783	UAGAGGCUACAGGGGUUAGCCUG	167	antisentido	30879	SCD:3803L21 ARNip (3785C) stab05	GGcuAAcccccUgUAGccucTsT	843
SCD	4772	CUGACCUACCUCAAAAGGGCAGUU	168	antisentido	30880	SCD:4792L21 ARNip (4774C) stab05	cuGccuuuGAGGuAGGucTsT	844
SCD	993	GAUAUGCUGUGGUGCUUAAUGCC	165	con sentido	31021	SCD:995U21 ARNip	UAUGCUGUGGUGCUUAAUGTT	845
SCD	2518	ACUGCUGGACAUAGAUUGGAGAG	166	con sentido	31022	SCD:2520U21 ARNip	UGCUGGACAUAGAGUGGAGTT	846
SCD	3783	UAGAGGCUACAGGGGUUAGCCUG	167	con sentido	31023	SCD:3785U21 ARNip	GAGGCUACAGGGGUUAGCCTT	847
SCD	4772	CUGACCUACCUCAAAAGGGCAGUU	168	con sentido	31024	SCD:4774U21 ARNip	GACCUACCUCAAAAGGGCAGTT	848
SCD	993	GAUAUGCUGUGGUGCUUAAUGCC	165	antisentido	31097	SCD:1013L21 ARNip (995C)	CAUUAAAGCACCCACAGCAUATT	849

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
SCD	2518	ACUGCUGGACAUAGAGAGGAGAG	166	antisentido	31098	SCD:2538L21 ARNip (2520C)	CUCCAUCUCAUGUCCAGCATT	850
SCD	3783	UAGAGGCUACAGGGGUUAGCCUG	167	antisentido	31099	SCD:3803L21 ARNip (3785C)	GGCUAACCCCUUGUAGCCUCTT	851
SCD	4772	CUGACCUACCUCAAAGGGCAGUU	168	antisentido	31100	SCD:4792L21 ARNip (4774C)	CUGCCCUUUGAGGUAGGUCTT	852
TERT	17	CUGCGCACGUGGGAAGCCCUGGC	169	con sentido	29960	TERT:19U21 ARNip	GCGCACGUGGGGAAGCCCUGGC	853
TERT	309	UGCAGAGGCUUGUGCGAGCGCGGC	170	con sentido	29961	TERT:311U21 ARNip	CAGAGGCUUGUGCGAGCGCGGC	854
TERT	641	CGUCUGGGGAUGCGAACGGGCCUG	171	con sentido	29962	TERT:643U21 ARNip	UCUGGGGAUGCGAACGGGCCUG	855
TERT	1244	CUUGGGAACCCACGCGCAGUGCCC	172	con sentido	29963	TERT:1246U21 ARNip	UGGGAACCCACGCGCAGUGCCC	856
TERT	2495	UGCCACCACGCCGUGCGCAUCAG	173	con sentido	29964	TERT:2497U21 ARNip	CCACCACGCCGUGCGCAUCAG	857
TERT	17	CUGCGCACGUGGGAAGCCCUGGC	169	antisentido	29965	TERT:39L21 ARNip (19C)	CAGGGCUUCCACACGUGCGCAG	858
TERT	309	UGCAGAGGCUUGUGCGAGCGCGGC	170	antisentido	29966	TERT:331L21 ARNip (311C)	CGCGCUCGCGACAGCCUUGCA	859
TERT	641	CGUCUGGGGAUGCGAACGGGCCUG	171	antisentido	29967	TERT:663L21 ARNip (643C)	GGCCCGUUCGCAUCCCGAGACG	860
TERT	1244	CUUGGGAACCCACGCGCAGUGCCC	172	antisentido	29968	TERT:1266L21 ARNip (1246C)	GCACUGCGCGUGGUUCCCAAG	861

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
TERT	2495	UGCCACCACGCCGUGCGCAUCAG	173	antisentido	29969	TERT:2517L21 ARNip (2497C)	GAUGCGCACGGCGUGGUGGCA	862
TERT	1136	GUGGAGACCAUCUUUCUGGGUUC	174	con sentido	30905	TERT:1138U21 ARNip stab04	B GGAGAccAuccuuuuGGGuTT B	863
TERT	1790	AGUGUCUGGAGCAAGUUGCAAAG	175	con sentido	30906	TERT:1792U21 ARNip stab04	B uGucuGGAGGcAAGuuGcAAATT B	864
TERT	2915	AUCAGAGCCAGUCUCACCCUUCUCAA	176	con sentido	30907	TERT:2917U21 ARNip stab04	B cAGAGGccAGucucAccuucTT B	865
TERT	2994	UGAAGUGUCACAGCCUGUUUCUG	177	con sentido	30908	TERT:2996U21 ARNip stab04	B AAGuGucAcAGccuGuuucTT B	866
TERT	1136	GUGGAGACCAUCUUUCUGGGUUC	174	antisentido	30909	TERT:1156L21 ARNip (1138C) stab05	AcccAGAAAAGAuGGucuccTsT	867
TERT	1790	AGUGUCUGGAGCAAGUUGCAAAG	175	antisentido	30910	TERT:1810L21 ARNip (1792C) stab05	uuGcAAcuuGcuuccAGAcATsT	868
TERT	2915	AUCAGAGCCAGUCUCACCCUUCUCAA	176	antisentido	30911	TERT:2935L21 ARNip (2917C) stab05	GAAGGuGAGAcuGGcucuGTsT	869
TERT	2994	UGAAGUGUCACAGCCUGUUUCUG	177	antisentido	30912	TERT:3014L21 ARNip (2996C) stab05	GAAAcAGGcuGuGAcAcuuTsT	870
TGFB1	1526	AGGGAUAACACACUGCAAGUGGA	178	con sentido	30881	TGFb:1528U21 ARNip stab04	B GGAuAAcAcAcuGcAAGGuGTT B	871

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
TGFB1	2383	CCAUAGCAACACUCUGAGAU	179	con sentido	30882	TGfb:2385U21 ARNip stab04	B AuAGcAAcAcucuGAGAuGTT B	872
TGFB1	2484	GAACCUUCUUUAGUGGGGAUAG	180	con sentido	30883	TGfb:2486U21 ARNip stab04	B AccuGcuuuuAGUGGGGAU TT B	873
TGFB1	2566	UAGCACUUUUUGGAGGCAGAGAU	181	Con sentido	30884	TGfb:2568U21siRNA stab04	B GcAcuuuuuGGGAGGcAGAGTT B	874
TGFB1	1526	AGGGAUAACACACUCGAAGUGGA	178	antisentido	30885	TGfb:1546L21 ARNip (1528C) stab05	cAcuuGcAGuGuGuuAuccTsT	875
TGFB1	2383	CCAUAGCAACACUCUGAGAU	179	antisentido	30886	TGfb:2403L21 ARNip (2385C) stab05	cAucucAGAGuGuuGcuAuTsT	876
TGFB1	2484	GAACCUUCUUUAGUGGGGAUAG	180	antisentido	30887	TGfb:2504L21 ARNip (2486C) stab05	AucccccAcuAAAAGcAGGuTsT	877
TGFB1	2566	UAGCACUUUUUGGAGGCAGAGAU	181	antisentido	30888	TGfb:2586L21 ARNip (2568C) stab05	cucuGccucccAAAAGuGcTsT	878
TGFB1	1526	AGGGAUAACACACUCGAAGUGGA	178	con sentido	31053	TGfb:1528U21 ARNip	GGAUAACACACUCGCAAGUGTT	879
TGFB1	2383	CCAUAGCAACACUCUGAGAU	179	con sentido	31054	TGfb:2385U21 ARNip	AUAGCAACACUCUGAGAU TT	880
TGFB1	2484	GAACCUUCUUUAGUGGGGAUAG	180	con sentido	31055	TGfb:2486U21 ARNip	ACCUGCUUUUAGUGGGGAU TT	881
TGFB1	2566	UAGCACUUUUUGGAGGCAGAGAU	181	con sentido	31056	TGfb:2568U21 ARNip	GCACUUUUUGGAGGCAGAGTT	882
TGFB1	1526	AGGGAUAACACACUCGAAGUGGA	178	antisentido	31129	TGfb:1546L21 ARNip (1528C)	CACUUGCAGUGUGUUAUCC TT	883

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
TGFB1	2383	CCAUAGCAACACUCUCAGAGGCG	179	antisentido	31130	TGfb:2403L21 ARNip (2385C)	CAUCUCAGAGUGUUGCUAUTT	884
TGFB1	2484	GAACCUUGCUUUAGUGGGGGAUAG	180	antisentido	31131	TGfb:2504L21 ARNip (2486C)	AUCCCCACUAAAAGCAGGUTT	885
TGFB1	2566	UAGCACUUUUGGGAGGCAGAGAU	181	antisentido	31132	TGfb:2586L21 ARNip (2586C)	CUCUGCCUCCCCAAAAGUGCTT	886
TNF	77	AAGGACACCAUGAGCACUGAAAAG	182	Con sentido	30889	TNFa:79U21siRNA stab04	B GGAcAccAuGAGAcAcuGAATT B	887
TNF	176	UUUGUCCUCAGCCUCUUCUCCUU	183	con sentido	30890	TNFa:178U21 ARNip stab04	B GuuccucAGccucucuccTT B	888
TNF	568	CUCCUACCAGACCAAGGUCUAACC	184	con sentido	30891	TNFa:570U21 ARNip stab04	B ccuAccAGAccAAGGucAATT B	889
TNF	1150	UUAGGCCUUCCUCUCUCCAGAG	185	con sentido	30892	TNFa:1152U21 ARNip stab04	B AGGccuuccucuccAGATT B	890
TNF	77	AAGGACACCAUGAGCACUGAAAAG	182	antisentido	30893	TNFa:97L21 ARNip (79C) stab05	uuAcGuGcuAcAuGGuGuccTsT	891
TNF	176	UUUGUCCUCAGCCUCUUCUCCUU	183	antisentido	30894	TNFa:196L21 ARNip (178C) stab05	GGAGAAAGAGGcuGAGGAAcTsT	892
TNF	568	CUCCUACCAGACCAAGGUCUAACC	184	antisentido	30895	TNFa:588L21 ARNip (570C) stab05	uuGAccuuGGucuGGuAGGTsT	893

(continuación)

Diana	Pos Diana	Secuencia Diana	Sec. ID	cadena	RPI N°	Alias	Secuencia	Sec ID N°
TNF	1150	UUAGGCCUUCUCCUCCAGGAUG	185	antisentido	30896	TNFa:1170L21 ARNip (1152C) stab05	ucuGGAGAGAGGAAAGGccuTsT	894
TNF	77	AAGGACACCAUGAGCACUGAAAG	182	con sentido	31408	TNFa:79U21 ARNip	GGACACCAUGAGCACUGAATT	895
TNF	176	UUGUUCUCCUAGCCUUCUCCUU	183	con sentido	31409	TNFa:178U21 ARNip	GUUCCUCCUAGCCUUCUCCCTT	896
TNF	568	CUCCUACCAAGACCAAGGUAACC	184	con sentido	31410	TNFa:570U21 ARNip	CCUACCAAGACCAAGGUAATT	897
TNF	1150	UUAGGCCUUCUCCUCCAGGAUG	185	con sentido	31411	TNFa:1152U21 ARNip	AGGCCUUCUCCUCCAGATT	898
TNF	77	AAGGACACCAUGAGCACUGAAAG	182	antisentido	31412	TNFa:97L21 ARNip (79C)	UUCAGUGCUCAUGGUGUCCTT	899
TNF	176	UUGUUCUCCUAGCCUUCUCCUU	183	antisentido	31413	TNFa:196L21 ARNip (178C)	GGAGAAAGGCUCAGGAATT	900
TNF	568	CUCCUACCAAGACCAAGGUAACC	184	antisentido	31414	TNFa:588L21 ARNip (570C)	UUGACCUUGGUCUGGUGAGGTT	901
TNF	1150	UUAGGCCUUCUCCUCCAGGAUG	185	antisentido	31415	TNFa:1170L21 ARNip (1152C)	UCUGGAGAGAGGAAAGGCCUTT	902

Mayúsculas = ribonucleótido
 u, c = 2'-desoxi-2'-fluoro U, C
 T = timidina
 B = abásico desoxi invertido
 s = enlace fosforotioato
 A = desoxi Adenosina
 G = desoxi Guanosina
 X = base universal de nitroindol
 Z = base universal de nitropirol
 Y = timidina 3',3'-invertida
 M = glicerilo
 N = 3'-O-metil uridina
 P = L-timidina
 Q = L-uridina
 R = 5-bromo-desoxi uridina

Tabla II

A. 2,5 µmol Instrumento de Síntesis Cíclica ABI 394					
Reactivo	Equivalentes	Cantidad	Tiempo de Espera* ADN	Tiempo de Espera* 2'-O-metilo	Tiempo de Espera* ARN
Fosforamiditas	6,5	163 µl	45 s	2,5 min	7,5 min
S-Etil Tetrazol	23,8	238 µl	45 s	2,5 min	7,5 min
Anhídrido Acético	100	233 µl	5 s	5 s	5 s
N-Metil Imidazol	186	233 µl	5 s	5 s	5 s
TCA	176	2,3 ml	21 s	21 s	21 s
Yodo	11,2	1,7 ml	45 s	45 s	45 s
Beaucage	12,9	645 µl	100 s	300 s	300 s
Acetonitrilo	NA	6,67 ml	NA	NA	NA
B. 0,2 µmol Instrumento de Síntesis Cíclica ABI 394					
Reactivo	Equivalentes	Cantidad	Tiempo de Espera* ADN	Tiempo de Espera* 2'-O-metilo	Tiempo de Espera* ARN
Fosforamiditas	15	31 µl	45 s	233 s	465 s
S-Etil Tetrazol	38,7	31 µl	45 s	233 min	465 s
Anhídrido Acético	655	124 µl	5 s	5 s	5 s
N-Metilo Imidazol	1245	124 µl	5 s	5 s	5 s
TCA	700	732 µl	10 s	10 s	10 s
Yodo	20,6	244 µl	15 s	15 s	15 s
Beaucage	7,7	232 µl	100 s	300 s	300 s
Acetonitrilo	NA	2,64 ml	NA	NA	NA

(continuación)

C. 0 2 μ mol Instrumento de Síntesis Cíclica de 96 pocillos					
Reactivo	Equivalentes ADN/ 2'-O- metilo/Ribo	Cantidad: ADN/ 2'-O-metilo/ Ribo	Tiempo de Espera* ADN	Tiempo de Espera* 2'-O- metilo	Tiempo de Espera* Ribo
Fosforamiditas	22/33/66	40/60/120 μ l	60 s	180 s	360 s
S-Etil Tetrazol	70/105/210	40/60/120 μ l	60 s	180 min	360 s
Anhídrido Acético	265/265/265	50/50/50 μ l	10 s	10 s	10 s
N-Metil Imidazol	502/502/502	50/50/50 μ l	10 s	10 s	10 s
TCA	238/475/475	250/500/500 μ l	15 s	15 s	15 s
Yodo	6,8/6,8/6,8	80/80/80 μ l	30 s	30 s	30 s
Beaucage	34/51/51	80/120/120	100 s	200 s	200 s
Acetonitrilo	NA	1150/1150/1150 μ l	NA	NA	NA
• El Tiempo de Espera no incluye el tiempo de contacto durante el suministro. • La síntesis en tándem utiliza un acoplamiento doble de molécula de engarce.					

Tabla III

Grupo	Solución en Filtro (1,0 μ l)	Conc. de VEGF de reserva	Número de Animales	Inyectado (6,0 μ l)	Dosis	Conc. de inyectado
1	Tris-Cl pH 6,9	NA	5	agua	NA	NA
2	VEGF sin vehículo R&D Systems 75 μ M	3,53 μ g/ μ l	5	agua	agua	NA
3	VEGF sin vehículo R&D Systems 75 μ M	3,53 μ g/ μ l	5	ARNic Sitio 2340 Stab1	10 μ g/ojo	1,67 μ g/ μ l
4	VEGF sin vehículo R&D Systems 75 μ M	3,53 μ g/ μ l	5	ARNic Sitio 2340 Stab1	3 μ g/ojo	0,5 μ g/ μ l
5	VEGF sin vehículo R&D Systems 75 μ M	3,53 μ g/ μ l	5	ARNic Sitio 2340 Stab1	1 μ g/ojo	0,167 μ g/ μ l

(continuación)

Grupo	Solución en Filtro (1,0 µl)	Conc. de VEGF de reserva	Número de Animales	Inyectado (6,0 µl)	Dosis	Conc. de inyectado
6	VEGF sin vehículo R&D Systems 75 µM	3,53 µg/µl	5	ARNic Sitio 2340 Stab1 Inactivo	10 µg/ojo	1,67 µg/µl
7	VEGF sin vehículo R&D Systems 75 µM	3,53 µg/µl	5	ARNic Sitio 2340 Stab1 Inactivo	3 µg/ojo	0,5 µg/µl
8	VEGF sin vehículo R&D Systems 75 µM	3,53 µg/µl	5	ARNic Sitio 2340 Stab1 Inactivo	1 µg/ojo	0,167 µg/µl

Tabla IV

Ejemplos no limitantes de Químicas de Estabilización de construcciones de ANic modificadas químicamente					
Química	pirimidina	Purina	protección	p=S	Cadena
"Stab 1"	Ribo	Ribo	-	5 en el extremo 5' 1 en el extremo 3'	S/AS
"Stab 2"	Ribo	Ribo	-	Todos los enlaces	Habitualmente S
"Stab 3"	2'-fluoro	Ribo	-	4 en el extremo 5' 4 en el extremo 3'	Habitualmente S
"Stab 4"	2'-fluoro	Ribo	extremos 5' y 3'	-	Habitualmente S
"Stab 5"	2'-fluoro	Ribo	-	1 en el extremo 3'	Habitualmente AS
"Stab 6"	2'-O- Metilo	Ribo	extremos 5' y 3'	-	Habitualmente S
"Stab 7"	2'-fluoro	2'-desoxi	extremos 5' y 3'	-	Habitualmente S
"Stab 8"	2'-fluoro	2'-O-Metilo	-	1 en el extremo 3'	Habitualmente AS
"Stab 9"	Ribo	Ribo	extremos 5' y 3'	-	Habitualmente S
"Stab 10"	Ribo	Ribo	-	1 en el extremo 3'	Habitualmente AS
"Stab 11"	2'-fluoro	2'-desoxi	-	1 en el extremo 3'	Habitualmente AS

CAP = cualquier protección terminal, véase por ejemplo la **Figura 10**.
Todas las químicas Stab 1-11 pueden comprender restos de timidina (TT) 3'-terminales
Todas las químicas Stab 1-11 comprenden típicamente 21 nucleótidos, pero pueden variar como se describe en el presente documento.
S = cadena con sentido
AS = cadena antisentido

Tabla V

Nº de Acc	Descripción
NM_002825	Pleiotropina (factor de crecimiento de unión a heparina 8, factor promotor del crecimiento de neuritas 1) (PTN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033418	Proteína MGC9084 hipotética (MGC9084) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033111	LOC88523 (LOC88523) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032564	Homólogo de diacilglicerol O-aciltransferasa 2 (ratón) (DGAT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032311	Proteína KIAA1649 (KIAA1649) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022130	Fosfoproteína de golgi 3 (proteína de la cápside) (GOLPH3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021980	Optineurina (OPTN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000660	Factor de crecimiento transformante, beta 1 (enfermedad de Camurati-Engelmann) (TGFB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020423	Proteína LOC57147 hipotética (LOC57147) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020351	Proteína smag-64 expresada en célula de músculo liso e inducida por medio condicionado de macrófagos (LOC57086) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019556	Proteína dJ473B4 hipotética dJ473B4 (DJ473B4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018676	TMTSP para molécula transmembrana con módulo de trombospondina (LOC55901) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016265	GIOT-3 para represor de transcripción inducible por gonadotropina 3 (GIOT-3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016531	Factor 3 tipo Kruppel (básico) (KLF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016372	Receptor huérfano de siete dominios transmembrana (TPRA40) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016211	Homólogo de Sec31p de levadura (KIAA0905) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014933	Homólogo de Sec31p de levadura (KIAA0905) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014706	Antígeno de carcinoma de células escamosas reconocido por linfocitos T 3 (SART3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014463	Proteína Lsm3 (LSM3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014288	Proteína de unión a integrina beta 3 (beta3-endonexina) (ITGB3BP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013443	Miembro VI de CMP-NeuAC:(beta)-N-acetilgalactosaminida (alfa)2,6-sialiltransferasa (VI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012404	Relacionada con pp32 2 (PP32R2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012403	Relacionada con pp32 1 (PP32R1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006710	Homólogo de COP9 (COP9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006117	D3,D2-enoil-CoA isomerasa de peroxisoma (PECI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005839	Matriz repetitiva 1 de serina/arginina (SRRM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004264	Supresor SRB7 de homólogo de ARN polimerasa B (levadura) (SURB7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003714	Estanniocalcina 2 (STC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003122	Inhibidor de serina proteasa, tipo 1 de Kazal (SPINK 1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003690	Proteína cinasa, activador dependiente de ARN bicatenario inducible por interferón (PRKRA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015526	Proteína relacionada con CLIP-170 (CLIPR-59) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033401	Proteína de reconocimiento celular CASPR4 (CASPR4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023037	Proteína hipotética CG003 (13CDNA73) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021817	Proteína de enlace cerebral 1 (BRAL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016222	Proteína de caja DEAD abstrakt (ABS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003744	Homólogo de numb (<i>Drosophila</i>) (NUMB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032682	Caja forkhead P1 (FOXP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003681	Piridoxal (piridoxina, vitamina B6) quinasa (PDXK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001685	ATP sintasa, transporte de H ⁺ , complejo mitocondrial F0, subunidad F6 (ATP5J) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017954	Proteína FLJ20761 hipotética (FLJ20761) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015626	Proteína de WD que contiene la caja SOCS SWiP-1 (WSB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130795	Regulador de señalización de proteína G 3 (RGS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030877	Marco de lectura abierto 33 del cromosoma 20 (C20orf33) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080830	Cistatina 11 (CST11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032329	p28 ING5 (ING5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022917	Proteína asociada a ARN nucleolar (Nrap) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130787	Complejo proteico relacionado con adaptador 2, subunidad alfa 1 (AP2A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024744	(ALS2CR8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018984	Slingshot 1 (hSSH-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_106552	Proteína FLJ14249 hipotética similar a proteína de unión a HS1 3 (FLJ14249) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_022460	Proteína FLJ14249 hipotética similar a proteína de unión a HS1 3 (FLJ14249) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_130446	Proteína KLHL6 tipo kelch (KLHL6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020314	Proteína asociada a cáncer de esófago (MGC16824) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_130395	Proteína de interacción con helicasa Werner (WHIP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_020135	Proteína de interacción con helicasa Werner (WHIP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_130388	Que contiene repetición de anquirina y caja SOCS 12 (ASB12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130387	Que contiene repetición de anquirina y caja SOCS 14 (ASB14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007191	Factor inhibidor de WNT 1 (WIF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052950	Proteína que contiene dominio WD402 y FYVE 2 (WDF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025042	Región 23 del cromosoma del síndrome Williams-Beuren (WBSCR23) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080706	Canal catiónico de potencial del receptor transitorio, subfamilia V, miembro 1 (TRPV1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_080705	Canal catiónico de potencial del receptor transitorio, subfamilia V, miembro 1 (TRPV1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_080704	Canal catiónico de potencial del receptor transitorio, subfamilia V, miembro 1 (TRPV1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_018727	Canal catiónico de potencial del receptor transitorio, subfamilia V, miembro 1 (TRPV1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_080879	Proteína que contiene caja SOCS RAR2A (RAR2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080871	Que contiene repetición de anquirina y caja SOCS 10 (ASB10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080870	Proteína DPCR1 (DPCR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080834	Marco de lectura abierto 152 del cromosoma 20 (C20orf152) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080829	Marco de lectura abierto 175 del cromosoma 20 (C20orf175) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080828	Marco de lectura abierto 173 del cromosoma 20 (C20orf173) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080819	Receptor acoplado a la proteína G 78 (GPR78) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080752	Marco de lectura abierto 164 del cromosoma 20 (C20orf164) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080749	Marco de lectura abierto 163 del cromosoma 20 (C20orf163) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080745	Proteína de dedo anular 36 (RNF36) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080738	Dominio de muerte asociado a EDAR (EDARADD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014970	Proteína asociada a quinesina 3 (KIFAP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021058	Familia de histonas H2B, miembro R (H2BFR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021064	Familia de histonas H2A, miembro P (H2AFP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080491	Proteína de unión asociada a GRB2 2 (GAB2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_012296	Proteína de unión asociada a GRB2 2 (GAB2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_007247	Proteína de unión a subunidad AP1 gamma 1 (AP1GBP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_080551	Proteína de unión a subunidad AP1 gamma 1 (AP1GBP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_080550	Proteína de unión a subunidad AP1 gamma 1 (AP1GBP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000982	Proteína ribosómica L21 (RPL21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003913	Homólogo de serina/treonina-proteína cinasa PRP4 (PRP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002475	Cadena ligera de miosina 1 lenta a (MLC1SA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002729	Caja homeótica expresada hematopoyéticamente (HHEX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005893	Calicina (CCIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017593	Homólogo de cinasa inducible por BMP-2 de ratón (BIKE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032027	Precursor de proteína de unión a beta-amiloide (BBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004051	3-Hidroxibutiratodeshidrogenasa (corazón, mitocondrial) (BDH) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_006576	Advilina (AVIL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013375	Proteína de unión a proteína de unión a TATA (ABT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058219	Homólogo de regulador de transporte de ARNm de levadura 3 (MTR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058237	Proteína que contiene repeticiones tipo HEAT (KIAA1622) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_020958	Proteína que contiene repeticiones tipo HEAT (KIAA1622) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004702	Ciclina E2 (CCNE2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_057749	Ciclina E2 (CCNE2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_057735	Ciclina E2 (CCNE2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002013	Proteína de unión a FK506 3 (25 kD) (FKBP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004724	Homólogo de ZW10, proteína de centrómero/cinetocoro (<i>Drosophila</i>) (ZW10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_057159	Diferenciación endotelial, receptor acoplado a proteína G de ácido lisofosfatídico, 2 (EDG2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001401	Diferenciación endotelial, receptor acoplado a proteína G de ácido lisofosfatídico, 2 (EDG2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_015084	Proteína ribosómica mitocondrial S27 (MRPS27) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_033281	Proteína ribosómica mitocondrial S36 (MRPS36) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_005830	Proteína ribosómica mitocondrial S31 (MRPS31) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_012062	Tipo dinamina 1 (DNM1L) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_005648	Factor de elongación de la transcripción B (SIII) de <i>Homo sapiens</i> , polipéptido 1 (15 kD, elongina C) (TCEB1), ARNm
NM_007070	Proteína asociada a FKBP (FAP48) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_053274	Proteína asociada a FKBP (FAP48) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_054113	Proteína que interacciona con la subunidad catalítica de proteína cinasa dependiente de ADN 3 (KIP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003726	Fosfoproteína asociada a la familia src 1 (SCAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012308	Proteína de repetición rica en caja F y leucina 11 (FBXL11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030913	Dominio sema, dominio transmembrana (TM) y dominio citoplásmico, (semaforina) 6C (SEMA6C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021163	Represor KRAB asociado a RB (RBAK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033632	Proteína de dominio de caja F y WD-40 7 (homólogo de archipiélago, <i>Drosophila</i>) (FBXW7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_018315	Proteína de dominio de caja F y WD-40 7 (homólogo de archipiélago, <i>Drosophila</i>) (FBXW7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_012168	Sólo proteína de caja F 2 (FBXO2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033332	Homólogo B del ciclo de división celular 14 CDC14 (<i>S. cerevisiae</i>) (CDC14B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033331	Homólogo B del ciclo de división celular 14 CDC14 (<i>S. cerevisiae</i>) (CDC14B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003671	Homólogo B de ciclo de división celular 14 CDC14 (<i>S. cerevisiae</i>) (CDC14B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033307	Caspasa 4, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito delta, ARNm
NM_033306	Caspasa 4, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito gamma, ARNm
NM_001225	Caspasa 4, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito alfa, ARNm
NM_002948	Proteína ribosómica L15 (RPL15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033228	Proteína de dominio de factor de ribosilación de ADP 1, 64 kD (ARFD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito gamma, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_033227	Proteína de dominio de factor de ribosilación de ADP 1, 64 kD (ARFD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta, ARNm
NM_001656	Proteína de dominio de factor de ribosilación de ADP 1, 64 kD (ARFD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito alfa, ARNm
NM_021203	Proteína APMCF1 (APMCF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012095	Complejo proteico relacionado con adaptador 3, subunidad mu 1 (AP3M1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001025	Proteína ribosómica S23 (RPS23) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032989	Antagonista BCL2 de muerte celular (BAD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004322	Antagonista BCL2 de muerte celular (BAD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_014326	Proteína cinasa asociada a muerte 2 (DAPK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012430	Homólogo de sec22 (SEC22A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031216	Proteína tipo sec13 (SEC13L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002927	Regulador de señalización de proteína G 13 (RGS13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031274	Secuencia expresada en testículo 13A (TEX13A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001730	Factor 5 similar a Kruppel (intestinal) (KLF5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032674	Proteína que interacciona con repeticiones ricas en leucina 1 (en FLII) (LRRFIP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031361	Proteína de unión a colágeno, tipo IV, alfa 3 (antígeno de Goodpasture) (COL4A3BP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_031266	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea A/B (HNRPAB) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004499	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea A/B (HNRPAB) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004990	Metionina-ARNt sintetasa (MARS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031244	Homólogo 5 de regulación de información de tipo acoplamiento silencioso a sirtuina 2 (<i>S. cerevisiae</i>) (SIRT5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_012241	Homólogo 5 de regulación de información de tipo acoplamiento silencioso a sirtuina 2 (<i>S. cerevisiae</i>) (SIRT5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_006845	Tipo quinesina 6 (quinesina asociada a centrómero mitótico) (KNSL6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030920	Proteína tipo proteína ácida rica en leucina (LANP-L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016228	L-Quinurenina/alfa-aminoácido aminotransferasa (KATII) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017951	Proteína FLJ20297 hipotética (FLJ20297) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000778	Citocromo P450, subfamilia IVA, polipéptido 11 (CYP4A11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006582	Proteína de unión a elemento modulador de glucocorticoides 1 (GMEB1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_024482	Proteína de unión a elemento modulador de glucocorticoides 1 (GMEB1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_024885	ARN polimerasa II tipo TAF7, factor asociado a proteína de unión a caja TATA (TBP), 50 kD (TAF7L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005736	Homólogo A de proteína relacionada con actina ARP1 1, centractina alfa (levadura) (ACTR1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014031	Proteína VLCS-H1 (VLCS-H1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022334	Proteína asociada a dominio citoplásmico de integrina 1 (ICAP-1A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_007036	Molécula específica de célula endotelial 1 (ESM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006817	Marco de lectura abierto 8 del cromosoma 12 (C12orf8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022802	Proteína de unión al extremo C 2 (CTBP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001951	Factor de transcripción de E2F 5, unión a p130 (E2F5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022142	Proteína de unión a espermatozoides del epidídimo 1 (ELSPBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012200	Beta-1,3-glucuroniltransferasa 3 (glucuronosiltransferasa I) (B3GAT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022375	Oculomedina (OCLM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004962	Factor de diferenciación del crecimiento 10 (GDF10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007372	Proteína relacionada con ARN helicasa (RNAHP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005613	Regulador de señalización de proteína G 4 (RGS4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006083	Citocina IK, regulador por disminución de HLA II (IK de <i>Homo sapiens</i>), ARNm
NM_012426	Factor de corte y empalme 3b, subunidad 3, 130 kD (SF3B3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018164	Proteína FLJ10637 hipotética (FLJ10637) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006367	Proteína asociada a adenilil-ciclasa (CAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021106	Regulador de señalización de proteína G 3 (RGS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021082	Familia de transportadores de solutos 15 (transportador de H+/péptidos), miembro 2 (SLC15A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016578	Proteína asociada a pX de HBV 8 (LOC51773) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006671	Familia de transportadores de solutos 1 (transportador de glutamato), miembro 7 (SLC1A7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020650	Proteína LOC57333 hipotética (LOC57333) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015990	Proteína asociada a activación de linfocitos (LOC51088) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_020905	Proteína PAN2 (PAN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020685	HT021 (HT021) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020682	Proteína Cyt19 (Cyt19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020678	Proteína HT017 (HT017) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020669	Proteína gástrica no caracterizada ZA52P (LOC57399) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003760	Factor de inicio de traducción eucariota 4 gamma, 3 (EIF4G3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020412	Proteína CHMP1.5 (CHMP1.5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020411	Proteína XAGE-1 (XAGE-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020408	Proteína CGI-203 (CGI-203) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020395	Factor nuclear hipotético SBB122 (LOC57117) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020387	Proteína CATX-8 (CATX-8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020371	Regulador de muerte celular aven (LOC57099) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020362	HT014 (HT014) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020307	Ciclina L ania-6a (LOC57018) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007187	Proteína de unión al dominio WW 4 (proteína de unión a formina 21) (WBP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005644	ARN polimerasa II TAF12 de <i>Homo sapiens</i> , factor asociado a proteína de unión a caja TATA (TBP), 20 kD (TAF12), ARNm
NM_020150	Proteína SAR1 (SAR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020167	Receptor de neuromedina U 2 (NMU2R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020233	Proteína x 006 (MDS006) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020232	Proteína x 003 (MDS003) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020247	Proteína hipotética, clon Telethon (Italy_B41)_Strait02270_FL142 (LOC56997) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020213	Proteína hipotética de EUROIMAGE 1977056 (LOC56965) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020153	Proteína hipotética (LOC56912) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020149	Meis1, homólogo de sitio de integración vírica ecotrópica mieloide 1 (ratón) 2 (MEIS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020120	Tipo UDP-glucosa ceramidaglucoziltransferasa 1 (UGCG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM 020190	Proteína HNOEL-iso (HNOEL-iso) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020242	Tipo quinesina 7 (KNSL7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020194	Proteína GL004 (GL004) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_020193	Proteína GL002 (GL002) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020189	Proteína DC6 (DC6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020188	Proteína DC13 (DC13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020134	Proteína mediadora en la respuesta a colapsina 5; molécula asociada a CRMP3 (CRMP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019893	Ceramidasa mitocondrial (ASAH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019846	Quimiocina CC CCL28 (SCYA28) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019852	Metiltransferasa putativa (M6A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013338	Alg5, <i>S. cerevisiae</i> , homólogo de (ALG5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013341	Proteína hipotética (PTD004) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013318	Proteína hipotética (LQFBS-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013302	Factor de elongación 2 cinasa (HSU93850) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013299	Proteína predicha por clon 23627 (HSU79266) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013347	Homólogo Rpa4 de subunidad de 34 kd del complejo de proteína A de replicación (HSU24186) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019011	Proteína TRIAD3 (TRIAD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018965	Receptor desencadenante expresado en células mieloides 2 (TREM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019043	Similar a proteína rica en prolina 48 (LOC54518) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019006	Proteína asociada a PRK1 (AWP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019101	Apolipoproteína M (G3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019049	Proteína hipotética (FLJ20054) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018992	Proteína hipotética (FLJ20040) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019033	Proteína hipotética (FLJ11235) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019045	Similar a proteína de unión a rab11 (FLJ1 1116) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019079	Proteína hipotética (FLJ10884) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019073	Proteína hipotética (FLJ10007) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014298	Quinolinato fosforibosiltransferasa (nicotinato-nucleótido pirofosforilasa (carboxilante)) (QPRT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012413	Glutaminil-péptido ciclotransferasa (glutaminil ciclase) (QPCT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018836	Proteína hipotética (MOT8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018643	Receptor desencadenante expresado en células mieloides1 (TREM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018647	Superfamilia del receptor de factor de necrosis tumoral, miembro 19 (TNFRSF19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018664	Proteína de dimerización Jun p21SNFT (SNFT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018540	Proteína PRO2831 hipotética (PRO2831) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018630	Proteína PRO2577 hipotética (PRO2577) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018527	Proteína PRO2435 hipotética (PRO2435) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018625	Proteína PRO2289 hipotética (PRO2289) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018515	Proteína PRO2176 hipotética (PRO2176) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018615	Proteína PRO2032 hipotética (PRO2032) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018614	Proteína PRO2012 hipotética (PRO2012) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018608	Proteína PRO1905 hipotética (PRO1905) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018509	Proteína PRO1855 hipotética (PRO1855) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018505	Proteína PRO1728 hipotética (PRO1728) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018444	Piruvato deshidrogenasa fosfatasa (PDP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018442	Proteína PC326 (PC326) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018698	Proteína P15-2 hipotética (P15-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018466	Proteína de células precursoras/madre hematopoyéticas no caracterizadas MDS031 (MDS031) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018465	Proteína de células precursoras/madre hematopoyéticas no caracterizadas MDS030 (MDS030) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018463	Proteína de células precursoras/madre hematopoyéticas no caracterizadas MDS028 (MDS028) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018650	Cinasa reguladora de la afinidad a MAP/microtúbulos 1 (MARK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018678	Proteína de respuesta específica a lipopolisacárido 68 (LSR68) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018695	Proteína que interacciona con erbb2 (ERBB2IP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018683	Proteína de dedo de cinc 313 (ZNF313) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018660	Factor regulador del virus del papiloma PRF-1 (LOC55893) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018484	Familia de transportadores de solutos 22 (transportador de aniones/cationes orgánicos), miembro 11 (SLC22A11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018445	Proteína AD-015 (LOC55829) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017571	Proteína hipotética (LOC55580) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017542	Proteína KIAA1513 (KIAA1513) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018473	Proteína del hipotálamo no caracterizada HT012 (HT012) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018480	Proteína del hipotálamo no caracterizada HT007 (HT007) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017583	Proteína DIPB (HSA249128) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017567	N-acetilglucosamina cinasa (NAGK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018487	Antígeno asociado a carcinoma hepatocelular 112 (HCA112) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017548	Proteína hipotética (H41) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017547	Proteína hipotética (H17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017966	Proteína FLJ20847 hipotética (FLJ20847) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017955	Proteína FLJ20764 hipotética (FLJ20764) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017948	Proteína FLJ20736 hipotética (FLJ20736) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017945	Proteína FLJ20730 hipotética (FLJ20730) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017944	Proteína FLJ20727 hipotética (FLJ20727) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017939	Proteína FLJ20718 hipotética (FLJ20718) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017924	Proteína FLJ20671 hipotética (FLJ20671) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017923	Proteína FLJ20668 hipotética (FLJ20668) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017922	Proteína FLJ20666 hipotética (FLJ20666) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017908	Proteína FLJ20626 hipotética (FLJ20626) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017906	Proteína FLJ20624 hipotética (FLJ20624) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017904	Proteína FLJ20619 hipotética (FLJ20619) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017890	Proteína FLJ20583 hipotética (FLJ20583) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017887	Proteína FLJ20580 hipotética (FLJ20580) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017886	Proteína FLJ20574 hipotética (FLJ20574) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017880	Proteína FLJ20558 hipotética (FLJ20558) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017878	Supresor similar a HRAS2 2 (HRASLS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017877	Proteína FLJ20555 hipotética (FLJ20555) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017875	Proteína FLJ20551 hipotética (FLJ20551) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017870	Proteína FLJ20539 hipotética (FLJ20539) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017867	Proteína FLJ20534 hipotética (FLJ20534) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017864	Proteína FLJ20530 hipotética (FLJ20530) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017857	Slingshot 3 (SSH-3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_017852	Proteína NALP2 (NALP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017850	Proteína FLJ20508 hipotética (FLJ20508) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017846	Proteína asociada a selenocisteína de ARNt (SECP43) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017841	Proteína FLJ20487 hipotética (FLJ20487) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017839	Proteína FLJ20481 hipotética (FLJ20481) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017837	Proteína FLJ20477 hipotética (FLJ20477) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017832	Proteína FLJ20457 hipotética (FLJ20457) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017827	Proteína FLJ20450 hipotética (FLJ20450) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017826	Proteína FLJ20449 hipotética (FLJ20449) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017823	Proteína FLJ20442 hipotética (FLJ20442) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017822	Proteína FLJ20436 hipotética (FLJ20436) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017821	Proteína FLJ20435 hipotética (FLJ20435) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017815	Proteína FLJ20424 hipotética (FLJ20424) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017811	Proteína FLJ20419 hipotética (FLJ20419) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017810	Proteína FLJ20417 hipotética (FLJ20417) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017802	Proteína FLJ20397 hipotética (FLJ20397) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017792	Proteína FLJ20373 hipotética (FLJ20373) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017790	Regulador de señalización de proteína G 3 (RGS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017786	Proteína FLJ20366 hipotética (FLJ20366) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017785	Proteína FLJ20364 hipotética (FLJ20364) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017775	Proteína FLJ20343 hipotética (FLJ20343) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017774	Proteína FLJ20342 hipotética (FLJ20342) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017772	Proteína FLJ20337 hipotética (FLJ20337) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017770	Tipo elongación de ácidos grados de cadena muy larga (FEN1/Elo2, SUR4/Elo3, levadura) 2 (ELOVL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017762	Proteína FLJ20313 hipotética (FLJ20313) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017759	Proteína FLJ20309 hipotética (FLJ20309) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017756	Proteína FLJ20306 hipotética (FLJ20306) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017753	Proteína FLJ20300 hipotética (FLJ20300) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017751	Proteína FLJ20297 hipotética (FLJ20297) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017748	Proteína FLJ20291 hipotética (FLJ20291) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_017744	Proteína FLJ20284 hipotética (FLJ20284) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017740	Proteína FLJ20279 hipotética (FLJ20279) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017738	Proteína FLJ20276 hipotética (FLJ20276) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017736	Proteína FLJ20274 hipotética (FLJ20274) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017735	Proteína FLJ20272 hipotética (FLJ20272) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017719	Proteína FLJ20224 hipotética (FLJ20224) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017718	Proteína FLJ20220 hipotética (FLJ20220) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017716	4 dominios que atraviesan la membrana, subfamilia A, 4 dominios del miembro 12, subfamilia A, miembro 7 (MS4A12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017711	Proteína FLJ20207 hipotética (FLJ20207) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017709	Proteína FLJ20202 hipotética (FLJ20202) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017704	Proteína FLJ20189 hipotética (FLJ20189) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017699	Proteína FLJ20174 hipotética (FLJ20174) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017697	Proteína FLJ20171 hipotética (FLJ20171) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017687	Proteína FLJ20147 hipotética (FLJ20147) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017686	Proteína asociada a diferenciación inducida por gangliósido 2 (GDAP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017678	Proteína FLJ20127 hipotética (FLJ20127) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017677	Proteína FLJ20126 hipotética (FLJ20126) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017676	Proteína FLJ20125 hipotética (FLJ20125) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017670	Proteína FLJ20113 hipotética (FLJ20113) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017669	Proteína FLJ20105 hipotética (FLJ20105) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017665	Proteína FLJ20094 hipotética (FLJ20094) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017659	Proteína FLJ20084 hipotética (FLJ20084) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017657	Proteína FLJ20080 hipotética (FLJ20080) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017645	Proteína FLJ20060 hipotética (FLJ20060) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017640	Proteína FLJ20048 hipotética (FLJ20048) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017637	Proteína FLJ20043 hipotética (FLJ20043) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017636	Canal catiónico de potencial del receptor transitorio, subfamilia M, miembro 4 (TRPM4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017634	Proteína FLJ20038 hipotética (FLJ20038) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017629	Proteína FLJ20033 hipotética (FLJ20033) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_017622	Proteína FLJ20014 hipotética (FLJ20014) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017620	Proteína FLJ20011 hipotética (FLJ20011) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018396	Metiltransferasa putativa (METL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018381	Proteína FLJ11286 hipotética (FLJ11286) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018371	Proteína FLJ11264 hipotética (FLJ11264) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018368	Proteína FLJ11240 hipotética (FLJ11240) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018367	Fitoceramidasa alcalina (PHCA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018364	Proteína FLJ11220 hipotética (FLJ11220) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018363	Proteína FLJ11218 hipotética (FLJ11218) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018361	Proteína FLJ11210 hipotética (FLJ11210) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018358	Proteína FLJ11198 hipotética (FLJ11198) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018353	Proteína FLJ11186 hipotética (FLJ11186) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018352	Proteína FLJ11184 hipotética (FLJ11184) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018340	Proteína FLJ11151 hipotética (FLJ11151) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018339	Proteína FLJ11149 hipotética (FLJ11149) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018336	Proteína FLJ11136 hipotética (FLJ11136) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018333	Proteína FLJ20666 hipotética (FLJ20666) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018332	Proteína FLJ11126 hipotética (FLJ11126) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018330	Proteína KIAA1598 (KIAA1598) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018322	Proteína FLJ11101 hipotética (FLJ11101) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018318	Proteína FLJ11088 hipotética (FLJ11088) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018310	BRF2, subunidad del factor de inicio de la transcripción de ARN polimerasa III, tipo BRF1 (BRF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018303	Proteína FLJ11026 hipotética (FLJ11026) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018298	Proteína FLJ11006 hipotética (FLJ11006) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018287	Proteína FLJ10971 hipotética (FLJ10971) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018286	Proteína FLJ10970 hipotética (FLJ10970) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018283	Proteína FLJ10956 hipotética (FLJ10956) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018281	Proteína FLJ10948 hipotética (FLJ10948) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018278	Proteína FLJ10933 hipotética (FLJ10933) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018276	Slingshot 3 (SSH-3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018273	Proteína FLJ10922 hipotética (FLJ10922) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018272	Proteína FLJ10921 hipotética (FLJ10921) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018268	Proteína FLJ10904 hipotética (FLJ10904) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018265	Proteína FLJ10901 hipotética (FLJ10901) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018254	Proteína FLJ10876 hipotética (FLJ10876) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018253	Proteína FLJ10875 hipotética (FLJ10875) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018252	Proteína FLJ10874 hipotética (FLJ10874) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018245	Proteína FLJ10851 hipotética (FLJ10851) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018241	Proteína FLJ10846 hipotética (FLJ10846) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018239	Proteína FLJ10751 hipotética (FLJ10751) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018230	Nucleoporina de133 kD (NUP133) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018223	Punto de control con dominios forkhead y dedo anular (CHFR) <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018219	Proteína FLJ10786 hipotética (FLJ10786) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018217	Marco de lectura abierto 31 del cromosoma 20 (C20orf31) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018212	Ortólogo probable de proteína rica en prolina derivada de NPC de ratón 1 (FLJ10773) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018211	Proteína FLJ10770 hipotética (KIAA1579) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018207	Proteína FLJ10759 hipotética (FLJ10759) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018205	Proteína FLJ10751 hipotética (FLJ10751) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018192	Proteína FLJ10718 hipotética (FLJ10718) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018188	Proteína FLJ10709 hipotética (FLJ10709) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018187	Proteína FLJ10707 hipotética (FLJ10707) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018186	Proteína FLJ10706 hipotética (FLJ10706) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018184	Proteína FLJ10702 hipotética (FLJ10702) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018179	Proteína FLJ10688 hipotética (FLJ10688) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018178	Proteína FLJ10687 hipotética (FLJ10687) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018169	Proteína FLJ10652 hipotética (FLJ10652) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018161	Proteína FLJ10631 hipotética (FLJ10631) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018159	Proteína FLJ10628 hipotética (FLJ10628) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018147	Proteína FLJ10582 hipotética (FLJ10582) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018142	Proteína FLJ10569 hipotética (FLJ10569) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018137	Proteína arginina N-metiltransferasa 6 (PRMT6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018136	Proteína FLJ10517 hipotética (FLJ10517) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018133	Proteína FLJ10546 hipotética (FLJ10546) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018122	Proteína FLJ10514 hipotética (FLJ10514) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018120	Proteína FLJ10511 hipotética (FLJ10511) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018119	Proteína FLJ10509 hipotética (FLJ10509) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018116	Misato (FLJ10504) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018112	Proteína FLJ10493 hipotética (FLJ10493) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018106	Proteína FLJ10479 hipotética (FLJ10479) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018101	Proteína FLJ10468 hipotética (FLJ10468) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018100	Proteína FLJ10466 hipotética (FLJ10466) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018099	Proteína FLJ10462 hipotética (FLJ10462) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018097	Proteína FLJ10460 hipotética (FLJ10460) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018093	Proteína FLJ10439 hipotética (FLJ10439) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018092	Proteína FLJ10430 hipotética (FLJ10430) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018091	Proteína FLJ10422 hipotética (FLJ10422) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018090	Proteína FLJ10420 hipotética (FLJ10420) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018087	Proteína FLJ10407 hipotética (FLJ10407) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018086	Fidgetina (FIGN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018078	Proteína FLJ 10378 hipotética (FLJ10378) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018076	Proteína FLJ10376 hipotética (FLJ10376) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018075	Proteína FLJ10375 hipotética (FLJ10375) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018072	Proteína FLJ10359 hipotética (FLJ10359) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018070	Proteína FLJ10355 hipotética (FLJ10355) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018060	Proteína hipotética FLJ10326 (FLJ10326) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018054	Homólogo de nadrina de rata (RICH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018052	Proteína FLJ10305 hipotética (FLJ10305) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018051	Proteína FLJ10300 hipotética (FLJ10300) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018047	Proteína FLJ10290 hipotética (FLJ10290) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018043	Proteína FLJ10261 hipotética (FLJ10261) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018040	Proteína FLJ10252 hipotética (FLJ10252) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018039	Proteína FLJ10251 hipotética (FLJ10251) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018038	Proteína FLJ10246 hipotética (FLJ10246) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018035	Proteína FLJ10241 hipotética (FLJ10241) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018034	Proteína FLJ10233 hipotética (FLJ10233) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018033	Proteína FLJ10232 hipotética (FLJ10232) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018026	Proteína FLJ10209 hipotética (FLJ10209) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018025	Proteína FLJ10206 hipotética (FLJ10206) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018011	Proteína FLJ10154 hipotética (FLJ10154) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018009	Proteína FLJ10143 hipotética (FLJ10143) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018008	Proteína FLJ10142 hipotética (FLJ10142) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018001	Proteína FLJ10120 hipotética (FLJ10120) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017994	Proteína FLJ10099 hipotética (FLJ10099) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017993	Proteína FLJ10094 hipotética (FLJ10094) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017988	Proteína FLJ10074 hipotética (FLJ10074) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017987	Proteína que contiene dominio Run- y FYVE (Rabip4R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017976	Proteína FLJ10038 hipotética (FLJ10038) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018409	Proteína DKFZp761O0113 hipotética (DKFZp761O0113) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017601	Proteína DKFZp761H221 hipotética (DKFZp761H221) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018713	Proteína DKFZp547M236 hipotética (DKFZp547M236) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017606	Proteína DKFZp434K1210 hipotética (DKFZp434K1210) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017546	Proteína hipotética (C40) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018458	Proteína de médula ósea no caracterizada BM042 (BM042) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018456	Proteína de médula ósea no caracterizada BM040 (BM040) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018455	Proteína de médula ósea no caracterizada BM039 (BM039) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018453	Proteína de médula ósea no caracterizada BM036 (BM036) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018452	Marco de lectura abierto 35 del cromosoma 6 (C6orf35) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018489	Proteína ASH1 hipotética (ASH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004227	Homología de pleckstrina, dominios Sec7 de superenrollamiento 3 (PSCD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007014	Ubiquitina proteína ligasa tipo Nedd4 (WWP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_017431	Subunidad no catalítica gamma 3 de proteína cinasa activada por AMP (PRKAG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017426	Nucleoporina de 54 kD (NUP54) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016950	Testicano 3 (HSAJ1454) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017421	Metiltransferasa COQ3 (COQ3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006854	Receptor de retención de proteína del retículo endoplásmico KDEL (Lys-Asp-Glu-Leu) 2 (KDEL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015976	Nexina de clasificación 7 (SNX7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016577	RAB6B, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB6B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016559	Proteína PXR2b (PXR2b) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016297	Prenilcisteína liasa (PCL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016524	Proteína B/K (LOC51760) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016507	Proteína cinasa relacionada con CDC2 7 (CrkRS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016446	Proteína NAG-5 (LOC51754) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016382	Receptor de célula citolítica natural 2B4 (CD244) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016354	Familia de transportadores de solutos 21 (transportador de aniones orgánicos), miembro 12 (SLC21A12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016298	Proteína relacionada con enfermedad del músculo (LOC51725) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016290	Proteína que interacciona con receptor x retinoide (LOC51720) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016280	Proteína relacionada con carboxilesterasa (LOC51716) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016229	Citocromo b5 reductasa b5R.2 (LOC51700) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016213	Interactor de receptor de hormona tiroidea 4 (TRIP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016169	Supresor de homólogo fusionado (<i>Drosophila</i>) (SUFU) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016084	RAS, inducida por dexametasona 1 (RASD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016077	Proteína CGI-147 (LOC51651) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016023	Proteína CGI-77 (LOC51633) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016021	Enzima conjugadora de ubiquitina no canónica 1 (NCUBE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016003	Proteína DKFZP434J154 (DKFZP434J154) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015981	Proteína cinasa dependiente de calcio/calmodulina (CaM cinasa) II alfa (CAMK2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015949	Proteína CGI-20 (LOC51608) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015881	Homólogo de dickkopf 3 (<i>Xenopus laevis</i>) (DKK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016619	Proteína hipotética (LOC51316) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016598	Proteína DHHC1 (LOC51304) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016589	Proteína M5-14 (LOC51300) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016588	Neuritina (LOC51299) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016582	Transportador de péptido 3 (PHT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016570	CDA14 (LOC51290) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016565	Proteína E2IG2 (LOC51287) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016561	Regulador de apoptosis (LOC51283) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016526	GS15 (LOC51272) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016518	Ácido pipecólico oxidasa (PIPOX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016495	Proteína hipotética (LOC51256) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016486	Proteína hipotética (LOC51249) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016477	Caja forkhead P1 (FOXP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016465	Proteína hipotética (LOC51238) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016456	Proteína hipotética (LOC51235) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016350	Nineína (proteína que interacciona con GSK3B) (NIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016274	Proteína que interacciona con CK2 1; proteína HQ0024c (LOC51177) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016261	Delta-tubulina (LOC51174) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016216	Homólogo de enzima desramificadora 1 (<i>S. cerevisiae</i>) (DBR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016208	Proteína VPS28 (LOC51160) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016206	Proteína relacionada con carcinoma de colon (LOC51159) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016185	Expresada hematológica y neurológicamente 1 (HN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016181	Antígeno de melanoma (LOC51152) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016139	Proteína de 16,7 Kd (LOC51142) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016129	Subunidad de homólogo fotomorfogénico constitutivo de COP9 4 (<i>Arabidopsis</i>) (COPS4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016122	Antígeno NY-REN-58 (LOC51134) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016119	Antígeno NY-REN-34 de proteína de dedo de cinc putativa (LOC51131) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016103	Proteína de unión a GTP Sara (LOC51128) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016099	Proteína HSPC041 (LOC51125) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016096	Proteína HSPC038 (LOC51123) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016037	Proteína CGI-94 (LOC51118) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016014	Proteína CGI-67 (LOC51104) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015997	Proteína CGI-41 (LOC51093) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015974	Cristalina lambda (LOC51084) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015973	Péptido relacionado con galanina (LOC51083) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015972	Subunidad de 16 kDa de ARN polimerasa I (LOC51082) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015953	Proteína de interacción con eNOS (NOSIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015936	Proteína CGI-04 (LOC51067) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015895	Geminina (LOC51053) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015882	Tipo RIG 5-6 (LOC51048) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015853	ORF (LOC51035) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016080	Proteína CGI-150 (LOC51031) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016078	Proteína CGI-148 (LOC51030) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016076	Proteína CGI-146 (LOC51029) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016052	Proteína CGI-115 (LOC51018) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016049	Proteína CGI-112 (LOC51016) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015940	Proteína CGI-10 (LOC51004) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016505	Proteína hipotética (HSPC251) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016485	Proteína hipotética (HSPC228) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016472	Proteína hipotética (HSPC210) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016464	Proteína hipotética (HSPC196) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016462	Proteína hipotética (HSPC194) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016535	Proteína HSPC189 (HSPC189) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016404	Proteína hipotética (HSPC152) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016403	Proteína hipotética (HSPC148) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016399	Proteína hipotética (HSPC132) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016395	Transcrito inducido por butirato 1 (HSPC121) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016387	Proteína hipotética (HSPC060) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016101	Proteína hipotética (HSPC031) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015918	Homólogo de proteína RNasa MRP/RNasa P de levadura Pop5 (POP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016257	Proteína tipo hipocalcina 4 (HPCAL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016287	HP1-BP74 (HP1-BP74) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015888	Proteína hook 1 (HOOK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015852	Proteína de dedo de cinc relacionada con Krueppel (H-plk) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016451	Complejo proteico de coatómero, subunidad beta (COPB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015986	Factor tipo receptor de citocina 3 (CRLF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016204	Factor de diferenciación del crecimiento 2 (GDF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016617	Proteína hipotética (BM-002) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014822	Familia génica relacionada con SEC24, miembro D (<i>S. cerevisiae</i>) (SEC24D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014059	Proteína RGC32 (RGC32) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014040	Proteína PTD015 (PTD015) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014039	Proteína PTD012 (PTD012) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014111	Proteína PRO2086 (PRO2086) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014106	Proteína PRO1914 (PRO1914) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014104	Proteína PRO1880 (PRO1880) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014100	Proteína PRO1770 (PRO1770) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014137	Proteína PRO0650 (PRO0650) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014127	Proteína PRO0456 (PRO0456) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014123	Proteína PRO0246 (PRO0246) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014114	Proteína PRO0097 (PRO0097) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014113	Proteína PRO0038 (PRO0038) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014048	Proteína KIAA1243 (KIAA1243) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015368	Panexina 1 (PANX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014910	Proteína KIAA1084 (KIAA1084) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014916	Proteína KIAA1079 (KIAA1079) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014967	Proteína KIAA1018 (KIAA1018) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014953	Homólogo de proteína de control mitótico dis3 (KIAA1008) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014954	Proteína KIAA0985 (KIAA0985) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014917	Netrina G1 (KIAA0976) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014930	Proteína KIAA0972 (KIAA0972) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014907	Proteína KIAA0967 (KIAA0967) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014912	Proteína KIAA0940 (KIAA0940) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014021	Proteína KIAA0923 (KIAA0923) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014899	Proteína KIAA0878 (KIAA0878) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014951	Proteína KIAA0844 (KIAA0844) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014729	Producto génico de KIAA0808 (KIAA0808) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014813	Producto génico de KIAA0806 (KIAA0806) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014829	ARN helicasa (KIAA0801) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014698	Producto génico de KIAA0792 (KIAA0792) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014824	Producto génico de KIAA0769 (KIAA0769) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014677	Producto génico de KIAA0751 (KIAA0751) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014705	Producto génico de KIAA0716 (KIAA0716) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014861	Producto génico de KIAA0703 (KIAA0703) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014721	Producto génico de KIAA0680 (KIAA0680) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014827	Producto génico de KIAA0663 (KIAA0663) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014645	Producto génico de KIAA0635 (KIAA0635) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014664	Producto génico de KIAA0615 (KIAA0615) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014834	Producto génico de KIAA0563 (KIAA0563) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014696	Producto génico de KIAA0514 (KIAA0514) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014732	Producto génico de KIAA0513 (KIAA0513) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014710	Producto génico de KIAA0443 (KIAA0443) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014797	Producto génico de KIAA0441 (KIAA0441) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014819	Producto génico de KIAA0438 (KIAA0438) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015216	Proteína KIAA0433 (KIAA0433) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015251	Proteína KIAA0431 (KIAA0431) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015185	Factor de intercambio de nucleótidos de guanina de Cdc42 (GEF) 9 (ARHGEF9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014711	Producto génico de KIAA0419 (KIAA0419) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015564	Proteína KIAA0416 (KIAA0416) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014778	Producto génico de KIAA0410 (KIAA0410) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014659	Producto génico de KIAA0377 (KIAA0377) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014639	Producto génico de KIAA0372 (KIAA0372) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014786	Producto génico de KIAA0337 (KIAA0337) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014845	Producto génico de KIAA0274 (KIAA0274) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014745	Producto génico de KIAA0233 (KIAA0233) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014643	Producto génico de KIAA0222 (KIAA0222) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014674	Producto génico de KIAA0212 (KIAA0212), ARNm
NM_014720	Serina/treonina cinasa relacionada con Ste20 (SLK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014761	Producto génico de KIAA0174 (KIAA0174) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014730	Producto génico de KIAA0152 (KIAA0152) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014661	Producto génico de KIAA0140 (KIAA0140) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014777	Producto génico de KIAA0133 (KIAA0133) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014815	Producto génico de KIAA0130 (KIAA0130) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014755	Regulador transcripcional que interacciona con el PHS-bromodominio 2 (TRIP-Br2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014628	Gen predicho de ADNc con una secuencia codificante completa (KIAA0110) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014814	Producto génico de KIAA0107 (KIAA0107) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014752	Producto génico de KIAA0102 (KIAA0102) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014780	Producto génico de KIAA0076 (KIAA0076) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014882	Producto génico de KIAA0053 (KIAA0053) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014750	Producto génico de KIAA0008 (KIAA0008) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015684	Factor del componente regulador de la ATP sintasa mitocondrial B (ATPW) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014186	Proteína HSPC166 (HSPC166) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014184	Proteína HSPC163 (HSPC163) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014181	Proteína HSPC159 (HSPC159) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014179	Proteína HSPC157 (HSPC157) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014166	Proteína HSPC126 (HSPC126) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014155	Proteína HSPC063 (HSPC063) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014038	Proteína HSPC028 (HSPC028) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014017	Proteína HSPC003 (HSPC003) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014053	Proteína FLVCR (FLVCR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
MM 015400	Proteína DKFZP586N0721 (DKFZP586N0721) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015583	Proteína DKFZP586M0622 (DKFZP586M0622) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015485	Proteína DKFZP566K023 (DKFZP566K023) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014043	Proteína DKFZP564O123 (DKFZP564O123) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015387	Proteína de preimplantación 3 (PREI3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014056	Proteína DKFZP564K247 (DKFZP564K247) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015623	Proteína que contiene repeticiones de anquirina putativa (DKFZP564D166) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015582	Proteína DKFZP564B147 (DKFZP564B147) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015610	Proteína DKFZP434J154 (DKFZP434J154) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015590	Proteína DKFZP434F1735 (DKFZP434F1735) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015644	Proteína DKFZP434B103 (DKFZP434B103) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015396	Proteína DKFZP434A043 (DKFZP434A043). ARNm
NM_014058	Proteína DESC1 (DESC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015680	Proteína hipotética (CGI-57) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015379	Proteína del cerebro I3 (BRI3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014580	Familia de transportadores de solutos 2 (transportador de glucosa facilitado), miembro 8 (SLC2A8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014280	Homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia C, miembro 8 (DNAJC8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014313	Proteína de membrana pequeña 1 (SMP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014229	Familia de transportadores de solutos 6 (transportador de neurotransmisores, GABA), miembro 11 (SLC6A11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014575	Proteína que interacciona con schwannomina 1 (SCHIP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014402	Proteína de unión a ubiquinona de masa molecular baja (9,5 kD) (QP-C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014394	Proteína transmembrana inducible por hormona del crecimiento (GHITM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014225	Proteína fosfatasa 2 (antiguamente 2A), subunidad reguladora A (PR 65), isoforma alfa (PPP2R1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014497	Proteína nuclear (NP220) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014399	Proteína tetraspan NET-6 (NET-6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014889	Metaloproteasa 1 (familia de ptilisina) (MP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014484	Síntesis del cofactor de molibdeno 3 (MOCS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014447	Arfaptina 1 (HSU52521) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014350	Proteína inducida por TNF (GG2-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014478	Proteína componente de receptor de péptido relacionado con gen de calcitonina (CGRP-RCP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014482	Proteína morfogenética de hueso 10 (BMP10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014474	Fosfodiesterasa tipo esfingomielinasa ácida (ASML3B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014480	Proteína de dedo de cinc (AF020591) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014576	Factor de complementación Apobec-1; proteína estimulante de APOBEC-1 (ACF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005884	Cinasa activada por p21 (CDKN1A) 4 (PAK4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013434	Calsenilina, proteína de unión a presenilina, factor de transcripción de mano EF (CSEN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012446	Proteína de unión a ADN monocatenario 2 (SSBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013235	Ribonucleasa putativa III (RNASE3L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013349	Proteína secretada de función desconocida (SPUF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013323	Nexina de clasificación 11 (SNX11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013388	Unión a elemento regulador de prolactina (PREB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013328	Isoforma de pirrolina 5-carboxilato reductasa (P5CR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013370	Inhibidor del crecimiento inducido por embarazo (OKL38) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013277	Proteína activadora de RacGTPasa 1 (RACGAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013285	GTPasa nucleolar (HUMAUAUTIG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013320	Factor de célula huésped 2 (HCF-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013391	Precursor de dimetilglicina deshidrogenasa (DMGDH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013253	Homólogo de dickkopf 3 (<i>Xenopus laevis</i>) (DKK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013339	Dolicil-P-Glc:Man9GlcNAc2-PP-dolicilglucosiltransferasa (ALG6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004120	Proteína de unión a guanilato 2, que induce interferón (GBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005690	Similar a dinamina 1 (DNM1L) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_012063	Similar a dinamina 1 (DNM1L) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_012470	Transportina SR (TRN-SR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012252	Factor de transcripción EC (TFEC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012250	Homólogo de oncogén RAS vírico relacionado (r-ras) 2 (RRAS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012249	Proteína tipo ras (TC10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012388	Homólogo de palidina (ratón) (PLDN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012322	Proteína tipo Sm asociada a ARNnc de U6 (LSM5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_012316	Carioferina alfa 6 (importina alfa 7) (KPNA6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012189	Fibrousheathin II (FSP-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012081	ARN polimerasa II relacionada con ELL, factor de elongación (ELL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003996	Glutación peroxidasa 5 (proteína relacionada con andrógenos del epidídimo) (GPX5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005260	Factor de diferenciación de crecimiento 9 (GDF9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007352	Elastasa 3B, pancreática (ELA3B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006685	Rica en prolina 3 (PROL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007357	Complementador de defecto C de receptor de lipoproteína de baja densidad (LDLC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004133	Factor nuclear de hepatocito 4, gamma (HNF4G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003144	Receptor de secuencia señal, alfa (proteína asociada a translocón alfa) (SSR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007324	MAD, madres contra la proteína que interacciona con decapentaplégico (<i>Drosophila</i>), anclaje de activación de receptor (MADHIP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_007323	MAD, madres contra la proteína que interacciona con decapentaplégico (<i>Drosophila</i>), anclaje de activación de receptor (MADHIP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005162	Tipo receptor de angiotensina 2 (AGTRL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005501	Integrina, alfa 3 (antígeno CD49C, subunidad alfa 3 de receptor VLA-3) (ITGA3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_007144	Proteína de dedo de cinc 144 (Mel-18) (ZNF144) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007286	Sinaptopodina (KIAA1029) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007199	Cinasa asociada a receptor de interleucina-1 M (IRAK-M) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007283	Monoglicérido lipasa (MGLL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007241	Complejo ELL de subunidad EAP30 (EAP30) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007212	Proteína de dedo anular 2 (RNF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007236	Proteína de unión a calcio P22 (CHP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007063	Que contiene Rab-GAP/TBC vascular (VRP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007027	Proteína de unión a topoisomerasa (ADN) II (TOPBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006938	Polipéptido de ribonucleoproteína nuclear pequeña D1 (16 kD) (SNRPD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006937	Supresor SMT3 de homólogo de mif two 3 2 (levadura) (SMT3H2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007029	Tipo estatmina 2 (STMN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007042	Ribonucleasa P (14kD) (RPP14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006907	Pirrolina-5-carboxilato reductasa 1 (PYCR1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_007059	Kaptina (proteína de unión a actina) (KPTN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007069	Supresor 3 tipo HRAS (HRASLS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006895	Histamina N-metiltransferasa (HNMT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007071	Que se asocia a HERV-H LTR 3 (HHLA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007067	Histona acetiltransferasa (HBOA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007006	Factor específico de escisión y poliadenilación 5, subunidad de 25 kD (CPSF5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007053	Receptor de linfocito citolítico natural, miembro de la superfamilia de inmunoglobulina (BY55) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006754	Proteína tipo sinaptofisina (SYPL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006802	Factor de corte y empalme 3a, subunidad 3, 60 kD (SF3A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006842	Factor de corte y empalme 3b, subunidad 2, 145kD (SF3B2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006834	RAB32, miembro de familia oncogénica RAS (RAB32) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006875	Oncogén pim-2 (PIM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006810	Proteína relacionada con disulfuro isomerasa (PDIR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003609	Proteína que interacciona con HIRA 3 (HIRIP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006820	Marco de lectura abierto 29 del cromosoma 1 (C1orf29) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006848	Proteína que interacciona con antígeno delta de hepatitis A (DIPA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006876	UDP-GlcNAc:betaGal beta-1,3-N-acetilglucosaminiltransferasa 6 (B3GNT6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006653	Diana 2 del factor neurotrófico asociado a suc1 (adaptador de señalización de FGFR) (SNT-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006638	Ribonucleasa P, subunidad de 40kD (RPP40) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004163	RAB27B, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB27B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006713	Cofactor de transcripción 4 de ARN polimerasa II activada (PC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006601	Receptor de progesterona inactiva, 23 kD (P23) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006675	Superfamilia de transmembrana 4 tetraspan (NET-5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006501	Proteína básica de oligodendrocito asociada a mielina (MOBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006612	Miembro de la familia quinesina 1C (KJF1C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006567	Fenilalanina-ARNt sintetasa (FARS1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006594	Complejo proteico relacionado con adaptador 4, subunidad beta 1 (AP4B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006621	Tipo S-adenosilhomocisteína hidrolasa 1 (AHCYL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006472	Proteína que interacciona con tioredoxina (TXNIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006388	Proteína inactiva para Tat del VIH, 60 kD (HTATIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006281	Serina/treonina cinasa 3 (homólogo de STE20, levadura) (STK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006401	Proteína ácida rica en leucinas (SSP29) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006425	Factor de corte y empalme de la etapa II SLU7 (SLU7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006359	Familia de transportadores de solutos 9 (intercambiador de sodio/hidrógeno), isoforma 6 (SLC9A6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006328	Proteína de motivo de unión a ARN 14 (RBM14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006466	Polipéptido de polimerasa (ARN) III (dirigido a ADN) F (39 kD) (POLR3F) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006467	Polimerasa (ARN) III (dirigida a ADN) (32 kD) (RPC32) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006397	Ribonucleasa HI, subunidad grande (RNASEHI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006443	Sensible a c-Myc putativa (RCL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006390	Proteína de unión a RAN 8 (RANBP8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006256	Tipo proteína cinasa C 2 (PRKCL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006254	Proteína cinasa C, delta (PRKCD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006229	Proteína relacionada con lipasa pancreática 1 (PNLIPRP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006319	CDP-diacylglicerol-inositol 3-fosfatidiltransferasa (fosfatidilinositolsintasa) (CDIPT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006219	Fosfoinosítido-3-cinasa, catalítica, polipéptido beta (PIK3CB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006346	Factor de bloqueo inducido por progesterona 1 (PIBF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006473	ARN polimerasa II tipo TAF6, factor asociado a factor asociado a p300/CBP (PCAF), 65 kD (TAF6L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006396	Autoantígeno de síndrome de Sjögren/ esclerodermia 1 (SSSCA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006428	Antígeno asociado a melanoma reconocido por linfocitos T citotóxicos (MAAT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006475	Factor específico de osteoblasto 2 (similar a fasciclina I) (OSF-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006392	Proteína nucleolar 5A (56 kD con repeticiones de KKE/D) (NOL5A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006417	Proteína de agregado microtubular (44 kD) (MTAP44) asociada a hepatitis C inducida por interferón de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006405	Miembro 1 de la superfamilia transmembrana 9 (TM9SF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006471	Miosina, polipéptido ligero, regulador, no-sarcomérico (20 kD) (MLCB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006152	Proteína de membrana restringida linfoide (LRMP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006460	Inducible por HMBA (HIS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006365	Activador transcripcional del promotor c-fos (CROC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006135	Proteína de recubrimiento (filamento de actina) línea Z de músculo, alfa 1 (CAPZA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006086	Tubulina, beta, 4 (TUBB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005761	Plexina C1 (PLXNC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005724	Tetraspan 3 (TSPAN-3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005646	Proteína de unión a ARN de TAR (VIH) 1 (TARBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005819	Sintaxina 6 (STX6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005866	Receptor sigma (proteína de unión a SR31747 1) (SR-BP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005842	Homólogo de sprouty 2 (<i>Drosophila</i>) (SPRY2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005626	Factor de corte y empalme, rico en arginina/serina 4 (SFRS4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005770	Factor rico en EDRK pequeño 2 (SERF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005805	Homólogo de pad1 asociado a proteasoma 26S (POH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005746	Factor potenciador de colonias de pre-linfocitos B (PBEF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005869	Antígeno de cáncer de colon definido serológicamente 10 (SDCCAG10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005787	Proteína similar a Not56 (<i>D. melanogaster</i>) (NOT56L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005792	Fosfoproteína de fase M 6 (MPHOSPH6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005693	Subfamilia de receptor nuclear 1, grupo H, miembro 3 (NR1H3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005799	Proteína de dominio PDZ (similar a inaD de <i>Drosophila</i>) (INADL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005713	Proteína de unión a colágeno, tipo IV, alfa 3 (antígeno de Goodpasture) (COL4A3BP), variante de transcrito 1, ARNm
NM_005878	Que contiene repeticiones trinucleotídicas 3 (TNRC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005875	Homólogo del factor de traducción sui 1 (GC20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005838	Glicina-N-aciltransferasa (GLYAT) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_005754	Proteína de unión a dominio SH3 de proteína activadora de Ras-GTPasa (G3BP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005764	Proteína epitelial regulada por incremento en carcinoma, proteína asociada a membrana 17 (DD96) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005694	Homólogo de COX17, proteína de ensamblaje de citocromo c oxidasa (levadura) (COX17) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_005506	Tipo antígeno CD36 (receptor de colágeno tipo I, receptor de trombospodina) 2 (proteína II integral de membrana lisosómica) (CD36L2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005881	Alfa-cetoácido deshidrogenasa cinasa de cadena ramificada (BCKDK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005718	Complejo proteico 2/3 relacionado con actina, subunidad 4 (20 kD) (ARPC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005717	Complejo proteico 2/3 relacionado con actina, subunidad 5 (16 kD) (ARPC5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005829	Complejo proteico relacionado con adaptador 3, subunidad sigma 2 (AP3S2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005814	Glucoproteína A33 (transmembrana) (GPA33) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005406	Proteína cinasa que contiene superenrollamiento asociada a Rho 1 (ROCK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005399	Proteína cinasa, activada por AMP, subunidad beta 2 no catalítica (PRKAB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005396	Proteína relacionada con lipasa pancreática 2 (PNLIPRP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM 005489	Que contiene dominio SH23C (SH2D3C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005479	Linfomas de linfocitos T frecuentemente reordenados con anterioridad (FRAT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005154	Proteasa específica de ubiquitina 8 (USP8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005066	Factor de corte y empalme rico en prolina/glutamina (asociado a proteína de unión de tracto de polipirimidina) (SFPQ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005123	Subfamilia de receptor nuclear 1, grupo H, miembro 4 (NR1H4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005046	Calicreína 7 (quimiotriptica, estrato córneo) (KLK7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005030	Cinasa similar a polo (<i>Drosophila</i>) (PLK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005014	Osteomodulina (OMD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005003	NADH deshidrogenasa (ubiquinona) 1, subcomplejo alfa/beta 1 (8 kD, SDAP) (NDUFAB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004941	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) (ARN helicasa) 8 (DDX8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004205	Proteasa específica de ubiquitina 2 (USP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004818	Prp28, proteína U5 snRNP de 100 kd (U5-100K) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004275	Proteína próxima a TRF (TRFP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004272	Homer, gen temprano inmediato neuronal, 1B (SYN47) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004177	Sintaxina 3A (STX3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004719	Proteína que interacciona con factor de corte y empalme rico en arginina/serina 2 (SFRS2IP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004175	Polipéptido de ribonucleoproteína nuclear pequeña D3 (18 kD) (SNRPD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004592	Factor de corte y empalme rico en arginina/serina 8 (homólogo de supresor de white apricot, <i>Drosophila</i>) (SFRS8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004799	MAD, madres contra la proteína que interacciona con decapentaplégico (<i>Drosophila</i>), anclaje de activación de receptor (MADHIP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_004875	Subunidad de ARN polimerasa I (RPA40) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004292	Inhibidor ras (RIN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004815	RhoGAP 1 asociada a PTPL1 (PARG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004772	Proteína P311 (P311) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004553	Proteína Fe-S 6 (13 kD) de NADH deshidrogenasa (ubiquinona) (NADH-coenzima Q reductasa) (NDUFS6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004549	NADH deshidrogenasa (ubiquinona) 1, subcomplejo desconocido 2 (14,5 kD, B 14.5b) (NDUFC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004271	MD-1, asociada a RP105 (MD-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004672	Proteína cinasa cinasa cinasa activada por mitógeno 6 (MAP3K6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004828	Antígeno de linfocito 95 (receptor de NK activador; NK-p44) (LY95) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004735	Proteína que interacciona con repeticiones ricas en leucina 1 (en FLII) (LRRFIP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004811	Leupaxina (LPXN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004522	Miembro de la familia quinesina 5C (KIF5C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004905	Proteína anti-oxidante 2 (glutación peroxidasa sin selenio, fosfolipasa A2 ácida independiente de calcio) (KIAA0106) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004770	Canal de potasio regulado por tensión, subfamilia relacionada con Shab, miembro 2 (KCNB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004848	Gen inducido por membrana basal (ICB-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004763	Proteína asociada a dominio citoplásmico de integrina 1 (ICAP-1A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004814	Proteína específica de U5 snRNP de 40 kDa (unión a hPrp8) (HPRP8BP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004839	Homer, gen temprano inmediato neuronal, 2 (HOMER-2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004684	Tipo SPARC 1 (mast9, hevina) (SPARCL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004832	Tipo glutatión-S-transferasa; glutatión transferasa omega (GSTTLp28) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004486	Autoantígeno del golgi, subfamilia de golgina a, 2 (GOLGA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004125	Proteína de unión a nucleótidos de guanina 10 (GNG10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004483	Proteína de sistema de escisión de glicina H (transportador de aminometilo) (GCSH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004767	Proteína 2 tipo receptor tipo b de endotelina (ET(B)R-LP-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004440	EphA7 (EPHA7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004757	Subfamilia de citocina inducible pequeña E, miembro 1 (activador de monocito endotelial) (SCYE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004427	Regulador del desarrollo temprano 2 (homólogo de polihomeótico 2) (EDR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004422	Dishevelled, homólogo de dsh 2 (<i>Drosophila</i>) (DVL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004416	Homólogo de deltex 1 (<i>Drosophila</i>) (DTX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004073	Cinasa inducible por citocina (CNK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004365	Centrina, proteína de mano EF, 3 (homólogo de CDC31, levadura) (CETN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004680	Proteína de cromodominio, cromosoma Y, 1 (CDY1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004291	Transcrito regulado por cocaína y anfetamina (CART) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004330	Proteína que interacciona con E1B de 19 kD de BCL2/adenovirus 2 (BNIP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004024	Factor de transcripción activador 3 (ATF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001177	Tipo factor de ribosilación de ADP 1 (ARL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001545	Transcrito 1 de carcinoma de colon inmaduro (ICT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001533	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea L (HNRPL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001509	Glutación peroxidasa 5 (proteína relacionada con andrógeno del epidídimo) (GPX5), variante de transcrito 1, ARNm
NM_001349	Aspartil-ARNt sintetasa (DARS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001329	Proteína de unión al extremo C 2 (CTBP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000082	Síndrome de Cockayne 1 (clásico) (CKN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001277	Colinacinas (CHK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001087	Proteína de célula migratoria asociada a angio (AAMP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003999	Receptor de oncostatina M (OSMR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003904	Proteína de dedo de cinc 259 (ZNF259) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003385	Tipo visinina 1 (VSNL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003348	Enzima conjugadora de ubiquitina E2N (homólogo de UBC13, levadura) (UBE2N) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003341	Enzima conjugadora de ubiquitina E2E 1 (homólogo de UBC4/5, levadura) (UBE2E1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003339	Enzima conjugadora de ubiquitina E2D 2 (homólogo de UBC4/5, levadura) (UBE2D2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003115	UDP-N-acetilglucosamina pirofosforilasa 1 (UAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003305	Canal catiónico de potencial del receptor transitorio, subfamilia C, miembro 3 (TRPC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003596	Tirosilproteína sulfotransferasa 1 (TPST1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003747	Tanquirasa, ADP-ribosa polimerasa relacionada con anquirina que interacciona con TRF1 (TNKS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003569	Sintaxina 7 (STX7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003164	Sintaxina 5A (STX5A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003764	Sintaxina 11 (STX11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003133	Partícula de reconocimiento de señal de 9 kD (SRP9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003136	Partícula de reconocimiento de señal de 54 kD (SRP54) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003131	Factor de respuesta a suero (factor de transcripción de unión a elemento de respuesta a suero c-fos) (SRF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM 003795	Nexina de clasificación 3 (SNX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003096	Polipéptido de ribonucleoproteína nuclear pequeña G (SNRPG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003093	Polipéptido de ribonucleoproteína nuclear pequeña C (SNRPC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003080	Esfingomielinafosfodiesterasa 2, membrana neutra (esfingomielinasa neutra) (SMPD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003059	Familia de transportadores de solutos 22 (transportador de cationes orgánico), miembro 4 (SLC22A4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003033	Sialiltransferasa 4A (beta-galactosidasa alfa-2,3-sialiltransferasa) (SIAT4A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003952	Proteína S6 cinasa ribosómica, 70 kD, polipéptido 2 (RPS6KB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003729	Que contiene dominio RTC 1 (RTCD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002937	Ribonucleasa, familia de RNasa A, 4 (RNASE4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003804	Serina-treonina cinasa que interacciona con receptor 1 (TNFRSF) (RIPK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002898	Motivo de unión a ARN, proteína de interacción monocatenaria 2 (RBMS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002886	RAP2B, miembro de la familia oncogénica RAS (RAP2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003953	Tipo proteína cero de mielina 1 (MPZL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002809	Subunidad 26S de proteasoma (prosome, macropaina), no ATPasa, 3 (PSMD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002771	Proteasa, serina, 3 (tripsina 3) (PRSS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002757	Proteína cinasa cinasa activada por mitógeno 5 (MAP2K5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002754	Proteína cinasa activada por mitógeno 13 (MAPK13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003668	Proteína cinasa activada por proteína cinasa activada por mitógeno 5 (MAPKAPK5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002718	Proteína fosfatasa 2 (anteriormente 2A), subunidad reguladora B" (PR 72), isoforma alfa y (PR 130), isoforma beta (PPP2R3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003622	Proteína de unión a proteína que interacciona con PTPRF 1 (liprina beta 1) (PPFIBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003626	Proteína que interacciona con polipéptido f tipo receptor de proteína tirosina fosfatasa (PTPRF) (liprina), alfa 1 (PPFIA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002689	Polimerasa (dirigida a ADN), alfa (70 kD) (POLA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002685	Autoantígeno de esclerodermia/polimiositis 2 (100 kD) (PMSCL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003876	Proteína de receptor putativa (PMI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002670	Plastina 1 (isoforma I) (PLS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002664	Pleckstrina (PLEK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003559	Fosfatidilinositol-4-fosfato 5-cinasa, tipo II, beta (PIP5K2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003629	Polipéptido 3 de subunidad reguladora de fosfoinosítido-3-cinasa (P55, gamma) (PIK3R3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002649	Polipéptido gamma catalítico de fosfoinosítido-3-cinasa (PIK3CG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002624	Prefoldina 5 (PFDN5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003846	Factor de biogénesis peroxisómico 11B (PEX11B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002617	Factor de biogénesis peroxisómico10 (PEX10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002611	Piruvato deshidrogenasa cinasa, isoenzima 2 (PDK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000923	Fosfodiesterasa 4C, específica de AMPc (homólogo de fosfodiesterasa E1 dunce, <i>Drosophila</i>) (PDE4C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002599	Fosfodiesterasa 2A, estimulada por GMPc (PDE2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002504	Factor de transcripción nuclear, 1 de unión a caja X (NFX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002482	Proteína de espermatozoide autoantigénica nuclear (unión a histona) (NASP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003826	Proteína de unión a factor sensible de N-etilmaleimida, gamma (NAPG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002465	Proteína de unión a miosina C, tipo lento (MYBPC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002461	Mevalonato (difosfo)descarboxilasa (MVD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003676	Homólogo de espermatozocito degenerativo, lípido desaturasa (<i>Drosophila</i>) (DEGS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002307	Lectina, unión a galactosidasa, soluble, 7 (galectina 7) (LGALS7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002271	Carioferina (importina) beta 3 (KPNB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002270	Carioferina (importina) beta 2 (KPNB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002214	Integrina, beta 8 (ITGB8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002204	Integrina, alfa 3 (antígeno CD49C, subunidad alfa 3 de receptor de VLA-3) (ITGA3), variante de transcrito a, ARNm
NM_001560	Receptor de interleucina 13, alfa 1 (IL13RA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002163	Proteína de unión a secuencia consenso de interferón 1 (ICSBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002156	Proteína 1 de choque térmico de 60 kD (chaperonina) (HSPD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002149	Tipo hipocalcina 1 (HPCAL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003947	Proteína que interacciona con proteína asociada con huntingtina (duo) (HAPIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003665	Ficolina 3 (que contiene dominio de colágeno/fibrinógeno) (antígeno Hakata) (FCN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000842	Receptor de glutamato, metabotrópico 5 (GRM5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002053	Proteína de unión de guanilato 1, inducible por interferón, 67 kD (GBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001482	Glicina amidinotransferasa (L-arginina:glicina amidinotransferasa) (GATM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002044	Galactocinasa 2 (GALK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001417	Factor de inicio de la traducción eucariota 4B (EIF4B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003758	Factor de inicio de la traducción eucariota 3, subunidad 1 (alfa, 35 kD) (EIF3S1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001404	Factor de elongación de la traducción eucariota 1 gamma (EEF1G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001960	Factor de elongación de traducción eucariota 1 delta (proteína de intercambio de nucleótidos de guanina) (EEF1D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003792	Factor relacionado con diferenciación endotelial 1 (EDF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003974	Proteína de acoplamiento 2, 56 kD (DOK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003586	Dominios tipo C2 doble, alfa (DOC2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001883	Receptor de hormona de liberación de corticotropina 2 (CRHR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001873	Carboxipeptidasa E (CPE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001782	Antígeno CD72 (CD72) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001762	TCP1 que contiene chaperonina, subunidad 6A (zeta 1) (CCT6A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003716	Proteína activadora dependiente de Ca ²⁺ para secreción (CADPS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003986	Butirobetaína (gamma), 2-oxoglutarato dioxigenasa 1 (gamma-butirotbetaína hidroxilasa) (BBOX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001674	Factor de transcripción activador 3 (ATF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001173	Proteína activadora de Rho GTPasa 5 (ARHGAP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025065	Factor de procesamiento de ARN 1 (RPF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024907	Proteína de caja F FBG4 (FBG4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025194	Inositol 1,4,5-trifosfato 3-cinasa C (ITPKC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014203	Complejo proteico relacionado con adaptador 2, subunidad alfa 1 (AP2A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130786	Alfa-1-B glicoproteína (A1BG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031482	Proteína DKFZp586I0418 hipotética (DKFZP586I0418) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015419	Adican (DKFZp564I1922) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015683	Proteína hipotética (CLONE24945) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015638	Marco de lectura abierto 188 del cromosoma 20 (C20orf188) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080737	Tipo sinaptotagmina 4 (granofilina-a) (SYTL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080723	Proteína de membrana vesicular p24 (VMP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080678	Enzima conjugadora de NEDD8 (NCE2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080668	Similar a gen 2610036L13 de ADNc de RIKEN (MGC16386) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080666	Similar a gen 2600001A11 de ADNc de RIKEN (LOC112840) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080663	Similar a gen 4933424N09 de ADNc de RIKEN (MGC16943) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080661	Similar a gen 0610008P16 de ADNc de RIKEN (MGC15937) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080658	Similar a gen 0610006H10 de ADNc de RIKEN (MGC9740) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080656	Similar a gen A430101B06 de ADNc de RIKEN (MGC13017) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080651	Similar a gen 1810038N03 de ADNc de RIKEN (MGC9890) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080650	Similar a gen 5730421E18 de ADNc de RIKEN (MGC14798) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080604	Proteína de unión estrecha 4 (periférica) (TJP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080552	Transportador de aminoácidos inhibidores vesiculares (VIAAT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080429	Acuaporina 10 (AQP10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018897	Cadena pesada de dineína axonémica 7 (DNAH7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015570	Proteína relacionada con el autismo 1 (KIAA0442) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_015132	Nexina de clasificación 13 (SNX13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022457	Similar a proteína fotomorfogénica constitutiva 1 (Arabidopsis) (FLJ10416) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030658	Proteína que contiene repeticiones de anquirina putativa (DKFZP564D166) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058229	Sólo proteína de caja F 32 (FBXO32) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058188	Marco de lectura abierto 67 del cromosoma 21 (C21orf67) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058187	Marco de lectura abierto 63 del cromosoma 21 (C21orf63) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058171	Proteína supresora de tumor similar a ING1 (similar a ING1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058167	Enzima conjugadora de ubiquitina 6 (Ubc6p) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015242	Centaurina, delta 2 (CENTD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_054114	Proteína FLJ32631 hipotética (FLJ32631) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_054111	Inositol hexafosfato cinasa 3 (IHPK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_054108	Proteína similar a H-rev107 5 (HRLP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020794	Densina 180 (KIAA1365) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_054032	Receptor MRGX4 acoplado a proteína G (MRGX4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_054031	Receptor MRGX3 acoplado a proteína G (MRGX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_054030	Receptor MRGX2 acoplado a proteína G (MRGX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_054023	Proteína relacionada con uteroglobina 1 (UGRP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_054024	Proteína de actividad inhibidora de melanoma 2 (MIA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031946	Centaurina, gamma 3 (CENTG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052860	Proteína de dedo de cinc similar a kruppel (ZNF300) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053054	Canal catiónico de espermatozoide (CATSPER) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053053	Factor asociado a SPT3 42 (STAF42) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053048	Proteína hipotética MGC16384 (MGC16384) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053047	Proteína hipotética MGC16063 (MGC16063) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053040	PNAS123 (LOC85028) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053039	Familia de UDP glucosiltransferasa 2, polipéptido B28 (UGT2B28) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053001	Proteína 2A relacionada con odd-skipped (OSR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052997	Antígeno de cáncer de mama NY-BR-1 (NY-BR-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052971	Péptido antimicrobiano expresado en el hígado 2 (LEAP-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052956	Acil-CoA sintetasa de cadena media (MACS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_052942	Proteína de unión a guanilato 5 (GBP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052931	Receptor NK activador (KALI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052879	Proteína de unión a c-Mpl (LOC113251) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030928	Factor de replicación de ADN (CDT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025185	Proteína que contiene repeticiones de anquirina putativa (DKFZP564D166) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015179	Proteína KIAA0690 (KIAA0690) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033626	Proteína JM11 (JM11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022735	Fosfoproteína de golgi 1 (GOLPH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033547	Gen hipotético MGC16733 similar a CG12113 (MGC16733) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032268	Gen de lesión nerviosa 283 (NIN283) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016167	Proteína reprimible por ácido retinoico (RARG-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033414	Proteína MGC17552 hipotética (MGC17552) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016336	Enzima conjugadora de ubiquitina no canónica 1 (NCUBE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033317	Gen hipotético ZD52F10 (ZD52F10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033266	Señalización de RE a núcleo 2 (ERN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031955	Proteína NYD-SP12 (NYD-SP12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033210	Proteína FLJ14855 hipotética (FLJ14855) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033211	Gen hipotético apoyado por AF038182; BC009203 (LOC90355) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033194	Proteína de choque térmico pequeña B9 (HspB9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032122	Proteína de unión a distrobrevina 1 (DTNBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020405	Precursor 7 de marcador endotelial tumoral (TEM7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033115	Proteína MGC16169 hipotética (MGC16169) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033117	Proteína MGC2734 hipotética (MGC2734) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033103	Proteína similar a rodofilina (LOC85415) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033035	Linfopoyetina del estroma del timo (TSLP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014001	Proteína de unión a ARF 3 que contiene adaptina lobular gamma asociada a golgi (GGA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015149	Gen similar a RaIGDS (RGL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032937	AD038 (LOC85026) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032932	Proteína MGC11316 hipotética (MGC11316) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032930	Proteína MGC13040 hipotética (MGC13040) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032918	Inhibidor de crecimiento regulado por estrógeno similar a RAS (RERG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032916	Proteína MGC16279 hipotética (MGC16279) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032907	Proteína MGC14421 hipotética (MGC14421) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032904	Proteína MGC14433 hipotética (MGC14433) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032900	Proteína MGC14258 hipotética (MGC14258) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032895	Proteína MGC14376 hipotética (MGC14376) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032888	Proteína KIAA1870 (KIAA1870) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032886	Proteína MGC15912 hipotética (MGC15912) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032884	Proteína MGC15882 hipotética (MGC15882) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032876	Proteína MGC15563 hipotética (MGC15563) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032875	Proteína MGC15482 hipotética (MGC15482) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032874	Proteína MGC15438 hipotética (MGC15438) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032872	Proteína que contiene dominio C2 relacionado con NADPH oxidasa (JFC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032871	Superfamilia del receptor de factor de necrosis tumoral, tipo miembro 19 (TNFRSF19L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032866	Proteína FLJ14957 hipotética (FLJ14957) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032860	Proteína FLJ14909 hipotética (FLJ14909) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032858	Proteína FLJ14904 hipotética (FLJ14904) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032852	Tipo AUT 1, cisteína endopeptidasa (<i>S. cerevisiae</i>) (AUTL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032848	Proteína FLJ14827 hipotética (FLJ14827) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032845	Proteína FLJ14816 hipotética (FLJ14816) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032835	Proteína FLJ14761 hipotética (FLJ14761) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032824	Proteína FLJ14681 hipotética (FLJ14681) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032823	Proteína FLJ14675 hipotética (FLJ14675) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032822	Proteína FLJ14668 hipotética (FLJ14668) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032818	Proteína FLJ14642 hipotética (FLJ14642) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032804	Proteína FLJ14547 hipotética (FLJ14547) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032795	Proteína FLJ14494 hipotética (FLJ14494) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032783	Proteína FLJ14431 hipotética (FLJ14431) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032766	Proteína MGC16179 hipotética (MGC16179) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032763	Proteína MGC16142 hipotética (MGC16142) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032756	Proteína MGC15668 hipotética (MGC15668) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032744	Proteína MGC12335 hipotética (MGC12335) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032738	Proteína MGC4595 hipotética (MGC4595) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032723	Proteína MGC12760 hipotética (MGC12760) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032720	Proteína MGC10724 hipotética (MGC10724) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032715	Proteína MGC4643 hipotética (MGC4643) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032712	Proteína MGC13170 hipotética (MGC13170) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032711	Proteína MGC13090 hipotética (MGC13090) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032706	Proteína MGC12966 hipotética (MGC12966) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032705	Proteína MGC14801 hipotética (MGC14801) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032694	Proteína MGC12935 hipotética (MGC12935) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032693	Proteína MGC10646 hipotética (MGC10646) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032681	Proteína MGC10977 hipotética (MGC10977) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032678	Proteína MGC3413 hipotética (MGC3413) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032667	Proteína MGC4694 hipotética (MGC4694) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032661	Proteína MGC5139 hipotética (MGC5139) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032634	Proteína MGC3079 hipotética (MGC3079) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032631	Proteína MGC2641 hipotética (MGC2641) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032601	Epimerasa de metilmalonil CoA (MCEE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032596	NYD-SP22 relacionada con el desarrollo testicular (NYD-SP22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032593	Proteína HIT relacionada con PKCI-1 (HIT-17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032586	Transcrito de testículo Y 8 (TTY8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032582	Proteasa específica de ubiquitina (NY-REN-60) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032580	Hairy y enhancer of split 7 (<i>Drosophila</i>) (HES7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032574	Proteína tipo dpy-30 (LOC84661) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032558	Proteína FLJ14753 hipotética (FLJ14753) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032557	Proteína de HP43.8 KD (HP43.8 KD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032553	Receptor purinérgico putativo (FKSG79) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032545	Gen críptico (CRYPTIC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020963	Mov10, virus 10 de la leucemia de Moloney, homólogo (ratón) (MOV 10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032522	Proteína MGC2629 hipotética (MGC2629) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032507	Proteína cerebral 4 (HUCEP-4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032499	Proteína HH114 hipotética (HH114) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032494	Proteína de dedo de cinc (LOC84524) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032492	Proteína GL009 hipotética (GL009) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032487	Proteína relacionada con actina M1 (ARPM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032486	Dinactina 4 (MGC3248) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032445	Proteína MEGF11 (MEGF11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030898	Proteína FLJ21673 hipotética (FLJ21673) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032412	Proteína nuclear putativa ORF1-FL49 (ORF1-FL49) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032411	Proteína 4 de gen relacionado con cáncer esofágico (ECRG4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015247	Cilindromatosis (síndrome del tumor en turbante) (CYLD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032330	Proteína MGC12536 hipotética (MGC12536) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032384	Proteína FLJ23183 hipotética (FLJ23183) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032372	Proteína MGC16186 hipotética (MGC16186) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032367	Proteína MGC15435 hipotética (MGC15435) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032354	Proteína MGC10744 hipotética (MGC10744) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032347	Proteína MGC13250 hipotética (MGC13250) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032344	Proteína MGC13045 hipotética (MGC13045) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032342	Proteína MGC12992 hipotética (MGC12992) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032340	Proteína MGC14833 hipotética (MGC14833) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032338	Proteína MGC14817 hipotética (MGC14817) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032333	Proteína MGC4248 hipotética (MGC4248) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032327	Proteína MGC2993 hipotética (MGC2993) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032325	Proteína MGC11102 hipotética (MGC11102) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032324	Proteína MGC13186 hipotética (MGC13186) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032323	Proteína MGC13102 hipotética (MGC13102) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032320	Proteína MGC13007 hipotética (MGC13007) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032318	Proteína MGC12945 hipotética (MGC12945) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032317	Proteína MGC12943 hipotética (MGC12943) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032316	Proteína MGC12936 hipotética (MGC12936) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032305	Proteína MGC3200 hipotética (MGC3200) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032293	Proteína DKFZp761J1523 hipotética (DKFZp761J1523) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032291	Proteína DKFZp761D221 hipotética (DKFZp761D221) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032290	Proteína DKFZp761C121 hipotética (DKFZp761C121) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032288	Proteína DKFZp761B1514 hipotética (DKFZp761B1514) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032273	Proteína DKFZp586C1924 hipotética (DKFZp586C1924) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032299	Proteína MGC2714 hipotética (MGC2714) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032267	Proteína DKFZp434E169 hipotética (DKFZp434E169) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032264	Proteína DKFZp434D177 hipotética (DKFZp434D177) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032261	Proteína DKFZp434N0650 hipotética (DKFZp434N0650) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032258	Proteína DKFZp434P2235 hipotética (DKFZp434P2235) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032251	Proteína DKFZp434G0920 hipotética (DKFZp434G0920) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032250	Proteína DKFZp434A171 hipotética (DKFZp434A171) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032249	Proteína DKFZp434F1819 hipotética (DKFZp434F1819) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032248	Proteína DKFZp434F1719 hipotética (DKFZp434F1719) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032246	Proteína DKFZp434J0617 hipotética (DKFZp434J0617) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032245	Proteína DKFZp434I1916 hipotética (DKFZp434I1916) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032223	Proteína FLJ22427 hipotética (FLJ22427) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032209	Proteína FLJ21777 hipotética (FLJ21777) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032193	Proteína FLJ20974 hipotética (FLJ20974) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032177	Proteína FLJ13193 hipotética (FLJ13193) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032167	Proteína FLJ12363 hipotética (FLJ12363) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032161	Proteína KIAA1870 (KIAA1870) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032154	Proteína MBLR (MBLR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032151	Proteína DKFZp566K1946 hipotética (DKFZP566K1946) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032148	Proteína DKFZp434K0427 hipotética (DKFZP434K0427) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032139	Proteína DKFZp434L0718 hipotética (DKFZP434L0718) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032138	Proteína DKFZp434E2318 hipotética (DKFZP434E2318) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032136	Proteína DKFZp434L1717 hipotética (DKFZP434L1717) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032125	Proteína DKFZp564D0478 hipotética (DKFZP564D0478) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032120	Proteína DKFZp564O0523 hipotética (DKFZP564O0523) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020921	Nineína (proteína que interacciona con GSK3B) (NIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020441	Proteína DKFZp762I166 hipotética (DKFZP762I166) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018719	Proteína DKFZp762L0311 hipotética (DKFZP762L0311) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015630	Proteína DKFZP566F2124 (DKFZP566F2124) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015621	Proteína DKFZP434C171 (DKFZP434C171) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015595	Proteína DKFZP434D146 (DKFZP434D146) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015496	Proteína DKFZP434I116 (DKFZP434I116) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015471	Proteína DKFZP566O1646 (DC8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015453	Proteína DKFZP434F091 (DKFZP434F091) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015023	Proteína KIAA1037 (KIAA1037) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014972	Proteína KIAA1049 (KIAA1049) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032042	Proteína DKFZp564D172 hipotética (DKFZP564D172) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032036	Precursor de proteína TLH29 (TLH29) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032030	FKSG83 (FKSG83) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032028	Serina/treonina cinasa FKSG81 (FKSG81) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032025	Proteína CDA02 (CDA02) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032021	Proteína AD031 (AD031) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031944	Proteína de caja homeótica tipo Mix 1 (MILD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031920	Proteína ARG99 (ARG99) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031480	Proteína AD034 hipotética (AD034) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031478	Proteína DKFZp434I2117 hipotética (DKFZP434I2117) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031477	Proteína MGC10500 hipotética (MGC10500) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031476	Proteína DKFZp434B044 hipotética (DKFZP434B044) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031472	Proteína MGC11134 hipotética (MGC11134) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031471	Proteína MGC10966 hipotética (MGC10966) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031457	Dominio transmembrana 4, subfamilia A, miembro 8B (MS4A8B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031450	Proteína p5326 hipotética (P5326) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031443	Proteína MGC4607 hipotética (MGC4607) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_031438	Proteína DKFZp761I172 hipotética (DKFZP761I172) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031434	Proteína MGC5442 hipotética (MGC5442) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031418	Marco de lectura abierto 25 del cromosoma 11 (C11orf25) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015497	Proteína DKFZP564G2022 (DKFZP564G2022) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031306	Proteína DKFZp564B1023 hipotética (DKFZP564B1023) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031295	Proteína PP1226 hipotética (PP1226) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031291	Proteína DKFZp434N1235 hipotética (DKFZP434N1235) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031290	Proteína DKFZp434K1172 hipotética (DKFZP434K1172) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031270	Proteína PRO1596 (PRO1596) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031268	Proteína PRO0461 (PRO0461) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031217	Proteína DKFZp434G2226 hipotética (DKFZP434G2226) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013358	Peptidilarginina deiminasa tipo I (colonia de hPAD 10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030980	Proteína FLJ12671 hipotética (FLJ12671) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030954	Proteína DKFZp564A022 hipotética (DKFZP564A022) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030953	Proteína DKFZp761E2110 hipotética (DKFZP761E2110) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030941	Exonucleasa NEF-sp (LOC81691) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030939	Proteína FLJ12619 hipotética (FLJ12619) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030938	Ortólogo probable de proteína de membrana de vacuola de rata 1 (VMP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030932	Homólogo de diaphanous 3 (<i>Drosophila</i>) (DIAPH3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030927	Proteína MGC11352 hipotética (MGC11352) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030925	Proteína FLJ12577 hipotética (FLJ12577) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030918	Proteína My014 hipotética (MY014) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030911	Proteína cinasa NYD-SP15 (NYD-SP15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030899	Proteína FLJ23407 hipotética (FLJ23407) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018657	Mioneurina (MYNN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030818	Proteína MGC10471 hipotética (MGC10471) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030813	Supresor de defecto de transporte de potasio 3 (SKD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030808	Proteína que interacciona con LIS1 NUDEL; endooligopeptidasa A (NUDEL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030805	Proteína DKFZp564L2423 hipotética (DKFZP564L2423) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030802	Proteína inducida por C/EBP (LOC81558) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_030800	Proteína DKFZp564O1664 hipotética (DKFZP564O1664) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030799	Proteína AF140225 hipotética (AF140225) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030793	Proteína SP329 hipotética (SP329) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030792	Proteína PP1665 hipotética (PP1665) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030780	Transportador/portador de folato (LOC81034) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030674	Familia de transportadores de solutos 38, miembro 1 (SLC38A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030672	Proteína FLJ10312 hipotética (FLJ10312) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024947	Proteína FLJ12729 hipotética (FLJ12729) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024963	Proteína FLJ11467 hipotética (FLJ111467) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017600	Proteína DKFZp434M0331 hipotética (DKFZp434M0331) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030652	Proteína NG3 (NG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030651	Marco de lectura abierto 31 del cromosoma 6 (C6orf31) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020444	Proteína KIAA1191(KIAA1191) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024055	Proteína MGC5499 hipotética (MGC5499) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025154	Proteína KIAA0810 (KIAA0810) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017515	Proteína novedosa (HSNOV1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024924	Proteína FLJ12985 hipotética (FLJ12985) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030579	Precursor de membrana mitocondrial exterior de citocromo b5 (CYB5-M) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022068	Proteína FLJ23403 hipotética (FLJ23403) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025179	Plexina A2 (PLXNA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014033	Proteína DKFZP586A0522 (DKFZP586A0522) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006468	Polimerasa (ARN) III (dirigida a ADN) (62 kD) (RPC62) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025263	Proteína CAT56 (CAT56) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025262	Proteína G5C (G5C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025261	Proteína G6C (G6C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025260	Proteína G6B (G6B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025259	Proteína NG23 (NG23) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025258	Proteína NG37 (G7C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025231	Proteína FLJ22191 hipotética (FLJ22191) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025226	Proteína MSTP032 (MSTP032) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_025211	Proteína de anclaje a proteína cinasa GKAP42 (GKAP42) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025201	Proteína PP1628 hipotética (PP1628) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025192	Proteína FLJ23071 hipotética (FLJ23071) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025188	Proteína FLJ13181 hipotética (FLJ13181) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025174	Proteína FLJ23040 hipotética (FLJ23040) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025165	Proteína FLJ22637 hipotética (FLJ22637) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025160	Proteína FLJ21016 hipotética (FLJ21016) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025153	Proteína FLJ21477 hipotética (FLJ21477) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025151	Proteína FLJ22622 hipotética (FLJ22622) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025149	Proteína FLJ20920 hipotética (FLJ20920) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025144	Proteína FLJ22670 hipotética (FLJ22670) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025138	Proteína FLJ12661 hipotética (FLJ12661) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025126	Proteína de dedo anular 34 (RNF34) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025125	Proteína FLJ13263 hipotética (FLJ13263) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025124	Proteína FLJ21749 hipotética (FLJ21749) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025109	Proteína FLJ22865 hipotética (FLJ22865) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025099	Proteína FLJ22170 hipotética (FLJ22170) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025098	Proteína FLJ22644 hipotética (FLJ22644) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025097	Proteína FLJ21106 hipotética (FLJ21106) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025095	Proteína FLJ23558 hipotética (FLJ23558) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025086	Proteína FLJ22596 hipotética (FLJ22596) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025080	Proteína FLJ22316 hipotética (FLJ22316) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025079	Proteína FLJ23231 hipotética (FLJ23231) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025077	Proteína FLJ13949 hipotética (FLJ13949) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025076	Proteína FLJ23591 hipotética (FLJ23591) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025072	Marco de lectura abierto 15 del cromosoma 9 (C9orf15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025070	Proteína FLJ22242 hipotética (FLJ22242) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025058	Proteína FLJ23229 hipotética (FLJ23229) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025055	Proteína FLJ23168 hipotética (FLJ23168) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025044	Proteína FLJ22476 hipotética (FLJ22476) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_025043	Proteína FIJ22404 hipotética (FLJ22404) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025041	Proteína FLJ22173 hipotética (FLJ22173) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025034	Proteína FLJ21290 hipotética (FLJ21290) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025032	Proteína FLJ21272 hipotética (FLJ21272) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025029	Proteína FLJ14346 hipotética (FLJ14346) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025005	Proteína FLJ13315 hipotética (FLJ13315) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024998	Proteína FLJ12704 hipotética (FLJ12704) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024994	Proteína FLJ12595 hipotética (FLJ12595) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024977	Proteína FLJ12078 hipotética (FLJ12078) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024976	Proteína FLJ11996 hipotética (FLJ11996) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024956	Proteína FLJ23375 hipotética (FLJ23375) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024944	Marco de lectura abierto 68 del cromosoma 21 (C21orf68) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024942	Proteína FLJ13490 hipotética (FLJ13490) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024941	Proteína FLJ13611 hipotética (FLJ13611) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024938	Proteína FLJ11383 hipotética (FLJ111383) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024935	Proteína FLJ13687 hipotética (FLJ13687) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024920	Proteína FLJ14281 hipotética (FLJ14281) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024919	Proteína FLJ22615 hipotética (FLJ22615) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024917	Proteína FLJ12687 hipotética (FLJ12687) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024914	Proteína FLJ13262 hipotética (FLJ13262) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024911	Proteína FLJ23091 hipotética (FLJ23091) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024909	Proteína FLJ13158 hipotética (FLJ13158) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024908	Proteína FLJ12973 hipotética (FLJ12973) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024906	Proteína FLJ21032 hipotética (FLJ21032) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024897	Proteína FLJ22672 hipotética (FLJ22672) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024889	Proteína FLJ23537 hipotética (FLJ23537) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024886	Proteína FLJ14280 hipotética (FLJ14280) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024882	Proteína FLJ13189 hipotética (FLJ13189) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024880	Proteína FLJ23556 hipotética (FLJ23556) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024864	Proteína FLJ22578 hipotética (FLJ22578) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_024853	Proteína FLJ13385 hipotética (FLJ13385) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024848	Proteína FLJ13941 hipotética (FLJ13941) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024847	Proteína FLJ21240 hipotética (FLJ21240) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024841	Proteína FLJ14213 hipotética (FLJ14213) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024839	Proteína FLJ22638 hipotética (FLJ22638) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024837	Proteína FLJ21472 hipotética (FLJ21472) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024835	Proteína de dedo de cinc tipo C3HC4 (LZK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024815	Proteína FLJ22494 hipotética (FLJ22494) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024813	Proteína FLJ13150 hipotética (FLJ3150) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024811	Proteína FLJ12529 hipotética (FLJ12529) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024810	Proteína FLJ23018 hipotética (FLJ23018) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024809	Proteína FLJ12975 hipotética (FLJ12975) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024808	Proteína FLJ22624 hipotética (FLJ22624) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024807	Proteína FLJ13693 hipotética (FLJ13693) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024806	Proteína FLJ23554 hipotética (FLJ23554) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024799	Proteína FLJ13224 hipotética (FLJ13224) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024796	Proteína FLJ22639 hipotética (FLJ22639) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024789	Proteína FLJ22529 hipotética (FLJ22529) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024784	Proteína FLJ23392 hipotética (FLJ23392) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024780	Proteína FLJ13593 hipotética (FLJ13593) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024773	Proteína FLJ13798 hipotética (FLJ13798) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024772	Proteína FLJ23151 hipotética (FLJ23151) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024771	Proteína FLJ13848 hipotética (FLJ13848) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024763	Proteína FLJ23129 hipotética (FLJ23129) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024754	Proteína FLJ12598 hipotética (FLJ12598) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024749	Proteína FLJ12505 hipotética (FLJ12505) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024746	Proteína FLJ13840 hipotética (FLJ13840) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024732	Proteína FLJ14351 hipotética (FLJ14351) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024731	Marco de lectura abierto 44 del cromosoma 16 (C16orf44) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024727	Proteína FLJ23259 hipotética (FLJ23259) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_024722	Proteína FLJ13322 hipotética (FLJ13322) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024717	Proteína FLJ22344 hipotética (FLJ22344) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024715	Proteína FLJ22625 hipotética (FLJ22625) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024709	Proteína FLJ14146 hipotética (FLJ14146) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024705	Proteína FLJ13639 hipotética (FLJ13639) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024703	Proteína FLJ22593 hipotética (FLJ22593) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024701	Que contiene repeticiones de anquirina y caja SOCS 13 (ASB13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024700	Proteína de interacción nuclear con Smad (SNIP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024695	Proteína FLJ13993 hipotética (FLJ13993) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024693	Proteína FLJ20909 hipotética (FLJ20909) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024688	Proteína FLJ13031 hipotética (FLJ13031) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024686	Proteína FLJ23033 hipotética (FLJ23033) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024678	Proteína FLJ23441 hipotética (FLJ23441) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024675	Proteína FLJ21816 hipotética (FLJ21816) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024672	Proteína FLJ23320 hipotética (FLJ23320) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024666	Proteína FLJ11506 hipotética (FLJ11506) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024654	Proteína FLJ23323 hipotética (FLJ23323) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024650	Proteína FLJ22531 hipotética (FLJ22531) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024649	Proteína FLJ23590 hipotética (FLJ23590) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024647	Proteína FLJ13287 hipotética (FLJ13287) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024640	Proteína FLJ23476 hipotética (FLJ23476) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024636	Ortólogo probable de proteína relacionada con tejido adiposo inducido por necrosis tumoral alfa de ratón (FLJ23153) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024628	Proteína FLJ23188 hipotética (FLJ23188) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024627	Proteína FLJ21125 hipotética (FLJ21125) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024626	Proteína FLJ22418 hipotética (FLJ22418) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024624	Proteína FLJ22116 hipotética (FLJ22116) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024616	Proteína FLJ23186 hipotética (FLJ23186) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024615	Proteína FLJ21308 hipotética (FLJ21308) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024613	Phafin 2 (FLJ13187) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024610	Proteína FLJ22623 hipotética (FLJ22623) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_024609	Proteína FLJ21841 hipotética (FLJ21841) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024606	Proteína FLJ11756 hipotética (FLJ11756) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024605	Proteína FLJ20896 hipotética (FLJ20896) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024602	Proteína FLJ21156 hipotética (FLJ1156) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024595	Proteína FLJ12666 hipotética (FLJ12666) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024585	Proteína FLJ22160 hipotética (FLJ22160) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024584	Proteína FLJ13646 hipotética (FLJ13646) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024580	Proteína FLJ13119 hipotética (FLJ13119) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024570	Proteína FLJ11712 hipotética (FLJ11712) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024565	Proteína FLJ14166 hipotética (FLJ14166) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024556	Proteína FLJ21103 hipotética (FLJ21103) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024552	Proteína FLJ12089 hipotética (FLJ12089) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024546	Proteína FLJ13449 hipotética (FLJ13449) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024534	Proteína FLJ12684 hipotética (FLJ12684) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024532	Proteína FLJ22724 hipotética (FLJ22724) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024526	Proteína FLJ21522 hipotética (FLJ21522) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024523	Proteína FLJ22035 hipotética (FLJ22035) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024522	Proteína FLJ12650 hipotética (FLJ12650) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024516	Proteína MGC4606 hipotética (MGC4606) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024514	Proteína MGC4663 hipotética (MGC4663) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024507	Proteína MGC10791 hipotética (MGC10791) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015288	Proteína KIAA0239 (KIAA0239) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024419	Fosfatidilglicerofosfato sintasa (PGS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024345	Proteína MGC10765 hipotética (MGC10765) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024340	Proteína MGC4179 hipotética (MGC4179) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024330	Proteína MGC4365 hipotética (MGC4365) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024326	Proteína MGC11279 hipotética (MGC11279) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024321	Proteína MGC10433 hipotética (MGC10433) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024312	Proteína MGC4170 hipotética (MGC4170) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024308	Proteína MGC4172 hipotética (MGC4172) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_024307	Proteína MGC4171 hipotética (MGC4171) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024295	Proteína MGC3067 hipotética (MGC3067) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020062	Regulador SLC2A4 (SLC2A4RG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018491	Proteína similar a COBW (LOC55871) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024116	Proteína MGC5306 hipotética (MGC5306) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024114	Proteína MGC4827 hipotética (MGC4827) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024113	Proteína MGC4707 hipotética (MGC4707) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024099	Proteína MGC2477 hipotética (MGC2477) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024092	Proteína MGC5508 hipotética (MGC5508) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024084	Proteína MGC3196 hipotética (MGC3196) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024072	Proteína MGC2835 hipotética (MGC2835) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024067	Proteína MGC2718 hipotética (MGC2718) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024063	Proteína MGC5347 hipotética (MGC5347) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024040	Proteína MGC2491 hipotética (MGC2491) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024036	Proteína MGC3103 hipotética (MGC3103) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015450	Protección de telómeros 1 (POT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021249	Nexina de clasificación 6 (SNX6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023932	Proteína MGC2487 hipotética (MGC2487) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023930	Proteína MGC2376 hipotética (MGC2376) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014045	Proteína DKFZP564C1940 (DKFZP564C1940) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015533	Proteína DKFZP586B1621 (DKFZP586B1621) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023927	Proteína FLJ21313 hipotética (FLJ21313) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023923	Proteína FLJ13171 hipotética (FLJ13171) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019054	Proteína MGC5560 hipotética (MGC5560) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023070	Proteína hipotética (LOC65243) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023015	Proteína FLJ21919 hipotética (FLJ21919) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022899	Ortólogo probable de homólogo 8 de proteína relacionada con actina de ratón (<i>S. cerevisiae</i>) (FLJ12934) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022836	Reparación de entrecruzamiento de ADN 1B (homólogo de PSO2, <i>S. cerevisiae</i>) (DCLRE1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022831	Proteína FLJ12806 hipotética (FLJ12806) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_022828	Proteína FLJ21940 hipotética (FLJ21940) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022822	Proteína FLJ12387 hipotética similar a cadena ligera de quinesina (FLJ12387) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022784	Proteína FLJ12476 hipotética (FLJ12476) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022783	Proteína FLJ12428 hipotética (FLJ12428) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022774	Proteína FLJ21144 hipotética (FLJ21144) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022765	Proteína FLJ11937 hipotética (FLJ11937) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022764	Proteína FLJ12998 hipotética (FLJ12998) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022758	Proteína FLJ22195 hipotética (FLJ22195) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022753	Proteína FLJ12903 hipotética (FLJ12903) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022749	Inducido 16 por ácido retinoico (RAI16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022746	Proteína FLJ22390 hipotética (FLJ22390) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022728	Diferenciación neurogénica 6 (NEUROD6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022496	Proteína FLJ13433 hipotética (FLJ13433) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022490	Proteína FLJ13390 hipotética similar a PAF53 (FLJ13390) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022484	Proteína FLJ13576 hipotética (FLJ13576) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022483	Proteína FLJ21657 hipotética (FLJ21657) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022473	Proteína de dedo de cinc 106 (ZFP106) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022471	Proteína FLJ13057 hipotética similar a sin célula germinal hipotética (FLJ13057) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022463	Nucleorredoxina 1 (NXN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022462	Proteína FLJ14033 hipotética similar a factor inducible por hipoxia 3, subunidad alfa (HIF-3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022461	Proteína FLJ21939 hipotética similar a gen inducido por 5-azacitidina 2 (FLJ21939) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022453	Proteína de dedo anular 25 (RNF25) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022374	Ortólogo probable de proteína que interacciona con factor 6 similar a ribosilación de ADP de ratón 2 (FLJ23293) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022371	Sensible a interferón dependiente de ATP (ADIR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022369	Proteína FLJ12541 hipotética similar a Stra6 (FLJ12541) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022367	Proteína FLJ12287 hipotética similar a semaforinas (FLJ12287) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022359	Similar a miomegalina de rata (LOC64182) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_022356	Supresor del crecimiento 1 (GROS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022354	Asociada 1 a espermatogénesis (SPATA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022347	Proteína IFRG15 (IFRG15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022341	Proteína tipo péptido deformilasa (LOC64146) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022164	P3ECSL (LIECG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022147	Proteína sensible a interferón de 28 kD (IFRG28) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022140	Tipo banda 4.1 de eritrocito 4 (EPB41L4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022133	Nexina de clasificación 16 (SNX16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022126	Pirofosfato fosfatasa inorgánica de fosfolisina fosfohistidina (LHPP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022097	Gen de antígeno de carcinoma hepatocelular 520 (LOC63928) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022094	Proteína FLJ20871 hipotética similar a FSP27 (FLJ20871) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022090	Tipo transposasa Buster3 derivada de transposón (LOC63920) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022074	Proteína FLJ22794 hipotética (FLJ22794) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022071	Proteína FLJ20967 hipotética (FLJ20967) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022063	Proteína FLJ13188 hipotética (FLJ13188) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022060	Proteína FLJ12816 hipotética (FLJ12816) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022034	Gen regulado por estrógeno 1 (ERG-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021945	Proteína FLJ22174 hipotética (FLJ22174) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021944	Proteína FLJ12154 hipotética (FLJ12154) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021941	Proteína FLJ21324 hipotética (FLJ21324) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021928	Proteína FLJ22649 hipotética similar a peptidasa señal SPC22/23 (FLJ22649) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021927	Proteína FLJ13220 hipotética (FLJ13220) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021925	Proteína FLJ21820 hipotética (FLJ21820) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021825	Proteína MDS025 hipotética (MDS025) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015622	Proteína CGI-43 (LOC51622) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021639	Proteína SP192 hipotética (SP192) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021637	Proteína FLJ14084 hipotética (FLJ14084) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021614	Canal activado por calcio de conductancia de potasio intermedia/pequeña, subfamilia N, miembro 2 (KCNN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021182	Antígeno de histocompatibilidad menor HB-1 (HB-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_021170	Factor de bHLH Hes4 (LOC57801) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021146	Factor similar a angiopoyetina (CDT6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005146	Antígeno de carcinoma de células escamosas reconocido por linfocitos T (SART1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021079	N-miristoiltransferasa 1 (NMT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021046	UHS KerB (LOC57830) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021018	Familia de histonas H3, miembro I (H3FI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006643	Antígeno de cáncer de colon definido serológicamente 3 (SDCCAG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017569	Factor de transcripción (proteína que interacciona con p38) (P38IP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015239	Proteína KIAA1035 (KIAA1035) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014977	Proteína KIAA0670/acinus (KIAA0670) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015176	Proteína KIAA0483 (KIAA0483) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014610	Proteína KIAA0088 (KIAA0088) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015516	Proteína hipotética, inducida por estradiol (E2IG4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015388	Proteína DKFZP566C243 (DKFZP566C243) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015679	Proteína hipotética (CLONE24922) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014409	ARN polimerasa II tipo TAF5, factor asociado a factor asociado a p300/CBP (PCAF), 65 kD (TAF5L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014368	Proteína de caja homeótica LIM 6 (LHX6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014315	Homólogo de factor de célula huésped (LCP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012414	Proteína activadora de GTPasa de rab3, subunidad no catalítica (150 kD) (RAB3-GAP150) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012219	Homólogo del oncogén RAS del músculo (MRAS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007375	Proteína de unión a ADN de TAR (TARDBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007074	Coronina, proteína de unión a actina, 1A (CORO1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006927	Sialiltransferasa 4B (beta-galactosidasa alfa-2,3-sialiltransferasa) (SIAT4B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006861	RAB35, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB35) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006502	Polimerasa (dirigida a ADN), eta (POLH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005710	Proteína 1 de unión a poliglutamina (PQBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005168	Familia génica de homólogo ras, miembro E (ARHE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004190	Lipasa, gástrica (LIPF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004132	Proteína de unión a ácido hialurónico 2 (HABP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004492	Factor de transcripción general IIA, 2 (subunidad de 12 kD) (GTF2A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004824	Proteína de cromodominio, similar al cromosoma Y (CDYL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003969	Enzima conjugadora de ubiquitina E2M (homólogo de UBC12, levadura) (UBE2M) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002711	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora (inhibidora) 3A (subunidad de unión a retículo sarcoplásmico y glucógeno, músculo esquelético) (PPP1R3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM 003847	Factor de biogénesis peroxisómico 11A (PEX11A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002004	Farnesil difosfato sintasa (farnesil pirofosfato sintetasa, dimetilaliltransferasa, geraniltransferasa) (FDPS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019111	Complejo mayor de histocompatibilidad, clase II, DR alfa (HLA-DRA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002120	Complejo mayor de histocompatibilidad, clase II, DO beta (HLA-DOB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002118	Complejo mayor de histocompatibilidad, clase II, DM beta (HLA-DMB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002125	Complejo mayor de histocompatibilidad, clase II, DR beta 5 (HLA-DRB5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021983	Complejo mayor de histocompatibilidad, clase II, DR beta 4 (HLA-DRB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022555	Complejo mayor de histocompatibilidad, clase II, DR beta 3 (HLA-DRB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005962	Proteína que interacciona con MAX 1 (MXI1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_130439	Proteína que interacciona con MAX 1 (MXI1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_080923	Proteína tirosina fosfatasa, tipo receptor C (PTPRC) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_080922	Proteína tirosina fosfatasa, tipo receptor C (PTPRC) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_080921	Proteína tirosina fosfatasa, tipo receptor C (PTPRC) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_130386	Miembro de la subfamilia colectina 12 (COLEC12) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito I, ARNm
NM_030781	Miembro de la subfamilia colectina 12 (COLEC12) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito II, ARNm
NM_130778	Colágeno, tipo XVII, alfa 1 (COL17A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito corto, ARNm
NM_000494	Colágeno, tipo XVII, alfa 1 (COL17A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito largo, ARNm
NM_001856	Colágeno, tipo XVI, alfa 1 (COL16A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001855	Colágeno, tipo XV, alfa 1 (COL15A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058166	Que contiene motivo tripartito 6 (TRIM6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002838	Proteína tirosina fosfatasa, tipo receptor C (PTPRC) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_130390	Que contiene motivo tripartito 34 (TRIM34) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_130389	Que contiene motivo tripartito 34 (TRIM34) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_021616	Que contiene motivo tripartito 34 (TRIM34) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_030950	Proteína de dedo ret (RFP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_130785	Inositol lípido fosfatasa homólogo de TPTE y PTEN (TPIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130784	Gen hipotético apoyado por AY027807; AY027808 (LOC93426) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130783	Similar a tetraspanina neuronal (LOC90139) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130782	Regulador de señalización de proteína G 18 (RGS18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130781	(RAB24) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130772	Proteína S100Z (S100Z) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130769	Glucoproteína alfa 2 (GPA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130770	Receptor de 5-hidroxitriptamina 3 subunidad C (HTR3C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130768	GASZ (GASZ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130767	Acetil-CoA hidrolasa citosólica (CACH-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130773	Proteína casprS (caspr5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006510	Proteína de dedo ret (RFP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito alfa, ARNm
NM_033554	Complejo mayor de histocompatibilidad, clase II, DP alfa 1 (HLA-DPA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM 033282	Opsina 4 (melanopsina) (OPN4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032035	Proteína MSTP031 (MSTP031) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017882	Variante infantil tardía de lipofuscinosis neuronal cerioidea 6 (CLN6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006983	Metaloproteínasa de matriz 23B (MMP23B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005608	Proteína tirosina fosfatasa, tipo receptor, proteína asociada a C (PTPRCAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004659	Metaloproteínasa de matriz 23A (MMP23A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025091	Proteína FLJ13330 hipotética (FLJ13330) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130759	Proteína asociada a inmunidad 1 (IMAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019841	Canal catiónico de potencial del receptor transitorio, subfamilia V, miembro 5 (TRPV5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017584	Aldehído reductasa (aldosa reductasa) tipo 6 (ALDRL6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017436	Alfa 1,4-galactosiltransferasa (A4GALT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006480	Regulador de señalización de proteína G 14 (RGS14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013357	Proteína G de unión a elemento rico en purina (PURG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016155	Metaloproteínasa de matriz 17 (insertada en membrana) (MMP17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002813	Proteasoma (prosoma, macropaina) subunidad de 26S, no ATPasa, 9 (PSMD9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024549	Proteína FLJ21127 hipotética (FLJ21127) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130441	Lectina de célula dendrítica b (DLEC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_015409	Proteína de unión a E1A p400 (EP400) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003702	Regulador de señalización de proteína G 20 (RGS20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016113	Canal catiónico de potencial del receptor transitorio, subfamilia V, miembro 2 (TRPV2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015530	Ortólogo probable de homólogo de proteína de apilamiento de golgi de rata GRASP55 (GRASP55) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005873	Regulador de señalización de proteína G 19 (RGS19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130469	Proteína de dimerización JUN 2 (JDP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130468	Dermatán-4-sulfotransferasa-1 (D4ST-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130467	Proteína PAGE-5 (PAGE-5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130463	ATPasa, transportadora de H ⁺ , lisosómica (bomba de protones vacuolar) (ATP6G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130459	Familia de torsina 2, miembro A (TOR2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021070	Proteína de unión a factor de crecimiento transformante latente beta 3 (LTBP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020865	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 36 (DDX36) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016304	Isólogo L30 de proteína ribosómica de 60S (LOC51187) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130443	Dipeptidilpeptidasa III (DPP3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005700	Dipeptidilpeptidasa III (DPP3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_018152	Marco de lectura abierto 12 del cromosoma 20 (C20orf12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006027	Exonucleasa 1 (EXO1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_003686	Exonucleasa 1 (EXO1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_130398	Exonucleasa 1 (EXO1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002837	Proteína tirosina fosfatasa, receptor tipo B (PTPRB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000775	Citocromo P450, polipéptido 2 de la subfamilia IIJ (ácido araquidónico epoxigenasa) (CYP2J2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053056	Ciclina D1 (adenomatosis de paratiroides 1 PRAD1) (CCND1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012090	Factor de reticulación de microtúbulos de actina 1 (MACF1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_017625	Intelectina (ITLN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015839	Ficolina 2 (lectina que contiene dominio de colágeno/fibrinógeno) (hucolina) (FCN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito SV3, ARNm
NM_015838	Ficolina 2 (lectina que contiene dominio de colágeno/fibrinógeno) (hucolina) (FCN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito SV2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_015837	Ficolina 2 (lectina que contiene dominio de colágeno/fibrinógeno) (hucolina) (FCN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito SV1, ARNm
NM_002003	Ficolina 1 (que contiene dominio colágeno/fibrinógeno) (FCN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016327	Ureidopropionasa beta (UPB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016328	Que contiene dominio de repetición GTF2I 1 (GTF2IRD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004108	Ficolina 2 (lectina que contiene dominio colágeno/fibrinógeno) (hucolina) (FCN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito SV0, ARNm
NM_002318	Tipo lisil oxidasa 2 (LOXL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130396	Proteína de ruta de señalización inducible por WNT1 3 (WISP3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003880	Proteína de ruta de señalización inducible por WNT1 3 (WISP3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_003881	Proteína de ruta de señalización inducible por WNT1 2 (WISP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080838	Proteína de ruta de señalización inducible por WNT1 1 (WISP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003882	Proteína de ruta de señalización inducible por WNT1 1 (WISP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000651	Receptor de componente del complemento (3b/4b) 1 que incluye sistema de grupo sanguíneo Knops (CR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito S, ARNm
NM_000573	Receptor de componente del complemento (3b/4b) 1 que incluye sistema de grupo sanguíneo Knops (CR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito F, ARNm
NM_006069	Homólogo 1 de sitio de integración de retrovirus murino (MRV11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_130385	Homólogo 1 de sitio de integración de retrovirus murino (MRV11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018492	Proteína cinasa originada en célula T-LAK (TOPK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002462	Resistencia a mixovirus (virus de la gripe) 1, proteína inducible por interferón p78 (ratón) (MX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015920	Tipo proteína ribosómica S27 (RPS27L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016183	Tipo proteína ribosómica grande P0 (RPLP0L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080746	Tipo proteína ribosómica L10 (RPL10L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032236	Proteína FLJ23277 hipotética (FLJ23277) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032784	Trombospondina hipotética (FLJ14440) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080731	MGC:2625 tipo filamento intermedio (DKFZP586I2223) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_080730	MGC:2625 tipo filamento intermedio (DKFZP58612223) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_015945	Expresada 1 en exceso en cáncer de ovario (OVCOV1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018018	Familia de transportadores de solutos 38, miembro 4 (SLC38A4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022451	Proteína AD24 (AD24) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020830	Proteína de unión a fosfoinositida SR1 (FENS-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033630	Que contiene dominio SCAN 1 (SCAND1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_016558	Que contiene dominio SCAN 1 (SCAND1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_015438	MGC:2625 tipo filamento intermedio (DKFZP58612223) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_007371	Que contiene bromodominio 3 (BRD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005104	Que contiene bromodominio 2 (BRD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005031	Regulador de transporte de iones que contiene dominio FXYD 1 (fosfoleman) (FXYD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_021902	Regulador de transporte de iones que contiene dominio FXYD 1 (fosfoleman) (FXYD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_014164	Regulador de transporte de iones que contiene dominio FXYD 5 (FXYD5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002463	Resistencia a mixovirus (virus de la gripe) 2 (ratón) (MX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014577	Que contiene bromodominio 1 (BRD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021004	Alcohol deshidrogenasa de cadena corta peroxisómica (humNRDR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020399	Compañero de unión a dominio PDZ/superenrollado para GTPasa de familia rho TC10 (PIST) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017935	Proteína FLJ20706 hipotética (BANK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018244	Marco de lectura abierto 44 del cromosoma 20 (C20orf44) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016100	N-acetiltransferasa 5 (homólogo de ARD1, <i>S. cerevisiae</i>) (NAT5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016045	Marco de lectura abierto 45 del cromosoma 20 (C20orf45) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007363	Que no contiene dominio POU, unión a octámero (NONO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002438	Receptor de manosa, tipo C1 (MRC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015092	Cinasa relacionada con cinasa PI-3 SMG-1 (SMG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018993	Proteína que interacciona con RAB52 (RIN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080841	Proteína tirosina fosfatasa, receptor tipo, A (PTPRA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_080840	Proteína tirosina fosfatasa, receptor tipo, A (PTPRA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002836	Proteína tirosina fosfatasa, receptor tipo, A (PTPRA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_024832	Proteína que interacciona con RAB5 3 (RIN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023915	Receptor acoplado a proteína G 87 (GPR87) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003029	Proteína transformante de SHC 1 (que contiene dominio 2 de homología a Src) (SHC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018490	Receptor acoplado a proteína G 48 (GPR48) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016020	Homólogo de factor de transcripción B mitocondrial de levadura (mtTFB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014475	Dihidrodiol deshidrogenasa (dimérico) (DHDH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006065	Proteína reguladora de señal beta 1I (SIRPB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005527	Proteína de choque térmico de 70 kD tipo 1 (HSPA1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004648	Proteína tirosina fosfatasa, sustrato tipo no receptor 1 (PTPNS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004480	Fucosiltransferasa 8 (alfa (1,6) fucosiltransferasa) (FUT8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003667	Receptor acoplado a proteína G 49 (GPR49) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130434	Dipeptidilpeptidasa 8 (DPP8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_017743	Dipeptidilpeptidasa 8 (DPP8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002122	Complejo mayor de histocompatibilidad, clase II, DQ alfa 1 (HLA-DQA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006442	Proteína asociada a DR1 1 (cofactor 2 alfa negativo) (DRAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080918	Desoxiguanosina cinasa (DGUOK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_080917	Desoxiguanosina cinasa (DGUOK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_080916	Desoxiguanosina cinasa (DGUOK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_080915	Desoxiguanosina cinasa (DGUOK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_001929	Desoxiguanosina cinasa (DGUOK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_080815	Colágeno, tipo XIII, alfa 1 (COL13A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 19, ARNm
NM_080814	Colágeno, tipo XIII, alfa 1 (COL13A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 18, ARNm
NM_080813	Colágeno, tipo XIII, alfa 1 (COL13A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 17, ARNm
NM_080812	Colágeno, tipo XIII, alfa 1 (COL13A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 16, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_080811	Colágeno, tipo XIII, alfa 1 (COL13A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 15, ARNm
NM_080810	Colágeno, tipo XIII, alfa 1 (COL13A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 14, ARNm
NM_080809	Colágeno, tipo XIII, alfa 1 (COL13A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 13, ARNm
NM_080808	Colágeno, tipo XIII, alfa 1 (COL13A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 12, ARNm
NM_080807	Colágeno, tipo XIII, alfa 1 (COL13A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 11, ARNm
NM_080806	Colágeno, tipo XIII, alfa 1 (COL13A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 10, ARNm
NM_080805	Colágeno, tipo XIII, alfa 1 (COL13A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 9, ARNm
NM_080804	Colágeno, tipo XIII, alfa 1 (COL13A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 8, ARNm
NM_080803	Colágeno, tipo XIII, alfa 1 (COL13A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 7, ARNm
NM_080802	Colágeno, tipo XIII, alfa 1 (COL13A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 6, ARNm
NM_080801	Colágeno, tipo XIII, alfa 1 (COL13A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_080800	Colágeno, tipo XIII, alfa 1 (COL13A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_080799	Colágeno, tipo XIII, alfa 1 (COL13A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_080798	Colágeno, tipo XIII, alfa 1 (COL13A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005203	Colágeno, tipo XIII, alfa 1 (COL13A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004395	Debrina 1 (DBN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_080881	Debrina 1 (DBN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_080792	Molécula similar a inmunoglobulina cerebral con motivos de activación basados en tirosina (BIT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080816	Proteína reguladora de señal beta 2 (SIRPB2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018556	Proteína reguladora de señal beta 2 (SIRPB2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000787	Dopamina beta-hidroxilasa (dopamina beta-monooxigenasa) (DBH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080426	Locus de complejo GNAS (GNAS) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_080425	Locus de complejo GNAS (GNAS) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_000516	Locus de complejo GNAS (GNAS) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_006571	Proteína que contiene RGD novedosa (WS-3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080926	Proteína hipotética similar a producto génico de KIAA0187 (LOC96610) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080924	Proteína hipotética similar a proteína CGI-67 (LOC91219) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080925	Proteína hipotética similar a topoisomerasa (ADN) beta III (H. sapiens) (LOC129020) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080914	Receptor de asiloglucoproteína 2 (ASGR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_080913	Receptor de asiloglucoproteína 2 (ASGR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_080912	Receptor de asiloglucoproteína 2 (ASGR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito H2', ARNm
NM_001181	Receptor de asiloglucoproteína 2 (ASGR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001671	Receptor de asiloglucoproteína 1 (ASGR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005065	Supresor sel-1 de tipo lin-12 (<i>C. elegans</i>) (SEL1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014978	Proteína de receptor de dominio VPS10 SORCS 3 (SORCS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015230	Centaurina, delta 1 (CENTD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052868	Superfamilia de inmunoglobulina, miembro 8 (IGSF8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032782	Proteína FLJ14428 hipotética (TIM3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032309	Marco de lectura abierto 9 del cromosoma 2 (C2orf9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021625	Canal catiónico de potencial del receptor transitorio, subfamilia V, miembro 4 (TRPV4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020960	Receptor acoplado a proteína G 107 (GPR107) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024503	Proteína de unión a potenciador del virus de la inmunodeficiencia humana tipo I 3 (HIVEP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024112	Marco de lectura abierto 16 del cromosoma 9 (C9orf16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015192	Fosfolipasa C, beta 1 (específica de fosfoinositida) (PLCB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022481	ARF-GAP, RHO-GAP, proteína que contiene dominios de repeticiones de anquirina y de homología de plekstrina 3 (ARAP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021634	Receptor acoplado a proteína G que contiene repeticiones ricas en leucina 7 (LGR7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013305	Sialiltransferasa 8E (alfa-2, 8-polisialiltransferasa) (SIAT8E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM 019069	Dominio de repetición de WD 5B (WDR5B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016179	Canal catiónico de potencial del receptor transitorio, subfamilia C, miembro 4 (TRPC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016592	Locus del complejo GNAS (GNAS) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_014007	Proteína de dedo de cinc 297B (ZNF297B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012471	Canal catiónico de potencial del receptor transitorio, subfamilia C, miembro 5 (TRPC5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012459	Translocasa de homólogo 8 de membrana mitocondrial interna B (levadura) (TIMM8B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004621	Canal catiónico de potencial del receptor transitorio, subfamilia C, miembro 6 (TRPC6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003304	Canal catiónico de potencial del receptor transitorio, subfamilia C, miembro 1 (TRPC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002124	Complejo mayor de histocompatibilidad, clase II, DR beta 1 (HLA-DRB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000972	Proteína ribosómica L7a (RPL7A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_130384	Exonucleasa tres prima reparadora 1 (TREX1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 6, ARNm
NM_033627	Exonucleasa tres prima reparadora 1 (TREX1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032166	Exonucleasa tres prima reparadora 1 (TREX1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_024996	Factor de elongación mitocondrial G (EFG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033629	Exonucleasa tres prima reparadora 1 (TREX1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_033628	Exonucleasa tres prima reparadora 1 (TREX1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_016381	Exonucleasa tres prima reparadora 1 (TREX1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031892	Proteína de unión a cinasa de dominio SH3 1 (SH3KBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003960	N-acetiltransferasa 8 (similar a camello) (NAT8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021093	Péptido YY, 2 (plasmina seminal) (PYY2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021092	Polipéptido pancreático 2 (PPY2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021190	Proteína 2 (de unión a tramo de polipirimidina PTBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013998	Taquiquinina, precursor 1 (sustancia K, sustancia P, neuroquinina 1, neuroquinina 2, neuromedina L, neuroquinina alfa, neuropéptido K, neuropéptido gamma) (TAC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito delta, ARNm
NM_013997	Taquiquinina, precursor 1 (sustancia K, sustancia P, neuroquinina 1, neuroquinina 2, neuromedina L, neuroquinina alfa, neuropéptido K, neuropéptido gamma) (TAC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito gamma, ARNm
NM_013996	Taquiquinina, precursor 1 (sustancia K, sustancia P, neuroquinina 1, neuroquinina 2, neuromedina L, neuroquinina alfa, neuropéptido K, neuropéptido gamma) (TAC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito alfa, ARNm
NM_016235	Receptor acoplado a proteína G, familia C, grupo 1, miembro B (GPRC5B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004630	Factor de corte y empalme 1 (SF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000230	Leptina (homólogo de obesidad, ratón) (LEP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003185	ARN polimerasa II de TAF4, factor asociado a proteína de unión a caja TATA (TBP), 135 kD (TAF4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003182	Taquiquinina, precursor 1 (sustancia K, sustancia P, neuroquinina 1, neuroquinina 2, neuromedina L, neuroquinina alfa, neuropéptido K, neuropéptido gamma) (TAC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta, ARNm
NM_002772	Proteasa, serina, 7 (enterocinasa) (PRSS7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005857	Metaloproteínasa de cinc (homólogo de STE24, levadura) (ZMPSTE24) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006103	Dominio central de cuatro disulfuros WAP 2 (WFDC2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_080736	Dominio central de cuatro disulfuros WAP 2 (WFDC2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_080735	Dominio central de cuatro disulfuros WAP 2 (WFDC2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_080734	Dominio central de cuatro disulfuros WAP 2 (WFDC2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_080733	Dominio central de cuatro disulfuros WAP 2 (WFDC2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_021197	Dominio central de cuatro disulfuros WAP 1 (WFDC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007128	Gen de linfocitos pre-B 1 (VPREB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006373	Proteína de transporte vesicular de aminas 1 (VAT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003105	Receptor relacionado con sortilina, que contiene repeticiones L (clase DLR) A (SORL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020777	Proteína de receptor de dominio VPS10 (SORCS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052918	Proteína de receptor de dominio VPS10 SORCS 1 (SORCS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022553	Supresor SAC2 de tipo mutaciones de actina 2 (levadura) (SACM2L) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004843	Receptor de citocina clase I (WSX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080564	Supresor SAC2 de tipo mutaciones de actina 2 (levadura) (SACM2L) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_006711	Proteína de unión a ARN S1, dominio rico en serina (RNPS1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_080594	Proteína de unión a ARN S1, dominio rico en serina (RNPS1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_100486	Adaptador que contiene dominio WW con un región superenrollada (WAC) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_100264	Adaptador que contiene dominio WW con un región superenrollada (WAC) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_016628	Adaptador que contiene dominio WW con un región superenrollada (WAC) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_005701	ARN, transportador 1 de U (RNUT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014810	Proteína asociada a centrosoma 350 (CAP350) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013325	Proteína KIAA0943 (Apg4B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020235	Homólogo de Bobby sox (<i>Drosophila</i>) (BBX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_019118	Proteína RP4-622L5 hipotética (RP4-622L5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016312	Proteína de unión a dominio WW 11 (WBP11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018706	Proteína KIAA1630 (KIAA1630) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080599	Regulador de transcritos sin sentido 2 (RENT2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_015542	Regulador de transcritos sin sentido 2 (RENT2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002911	Regulador de transcritos sin sentido 1 (RENT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002833	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 9 (PTPN9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080589	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 7 (PTPN7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_080588	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 7 (PTPN7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002832	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 7 (PTPN7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_007039	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 21 (PTPN21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014369	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 18 (derivado de cerebro) (PTPN18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005401	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 14 (PTPN14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002835	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 12 (PTPN12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080685	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 13 (fosfatasa asociada a APO-1/CD95 (Fas)) (PTPN13) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_080684	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 13 (fosfatasa asociada a APO-1/CD95 (Fas)) (PTPN13) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_080683	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 13 (fosfatasa asociada a APO-1/CD95 (Fas)) (PTPN13) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_080601	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 11 (PTPN11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002834	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 11 (PTPN11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_006399	Factor de transcripción de cremallera de leucina básica, tipo ATF (BATF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006709	Transcrito asociado a HLA-B 8 (BAT8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito NG36/G9a, ARNm
NM_033177	Transcrito asociado a HLA-B 4 (BAT4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004639	Transcrito asociado a HLA-B 3 (BAT3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_080703	Transcrito asociado a HLA-B 3 (BAT3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_080702	Transcrito asociado a HLA-B 3 (BAT3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004638	Transcrito asociado a HLA-B 2 (BAT2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_080686	Transcrito asociado a HLA-B 2 (BAT2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004640	Transcrito asociado a HLA-B 1 (BAT1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_080598	Transcrito asociado a HLA-B 1 (BAT1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_080797	Factor de transcripción asociado a muerte 1 (DATF1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_080796	Factor de transcripción asociado a muerte 1 (DATF1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_022105	Factor de transcripción asociado a muerte 1 (DATF1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_021080	Homólogo de disabled 1 (<i>Drosophila</i>) (DAB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080760	Homólogo de dachshund (<i>Drosophila</i>) (DACH) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_080759	Homólogo de dachshund (<i>Drosophila</i>) (DACH) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004392	Homólogo de dachshund (<i>Drosophila</i>) (DACH) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_005996	Caja T 3 (síndrome ulnar mamario) (TBX3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_016569	Caja T 3 (síndrome ulnar mamario) (TBX3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_016954	Caja T 22 (TBX22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080701	Exonucleasa tres prima reparadora 2 (TREX2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_080700	Exonucleasa tres prima reparadora 2 (TREX2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_080699	Exonucleasa tres prima reparadora 2 (TREX2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_017518	Exonucleasa tres prima reparadora 2 (TREX2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_007205	Exonucleasa tres prima reparadora 2 (TREX2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_080632	Similar a Upf3 de levadura, variante B (UPF3B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_023010	Similar a Upf3 de levadura, variante B (UPF3B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_080687	Similar a Upf3 de levadura, variante A (UPF3A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_023011	Similar a Upf3 de levadura, variante A (UPF3A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_080630	Colágeno, tipo XI, alfa 1 (COL11A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito C, ARNm
NM_080629	Colágeno, tipo XI, alfa 1 (COL11A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito B, ARNm
NM_001854	Colágeno, tipo XI, alfa 1 (COL11A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A, ARNm
NM_080791	Fosfatasa ácida, testicular (ACPT) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A3, ARNm
NM_001639	Componente P amiloide, suero (APCS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080790	Fosfatasa ácida, testicular (ACPT) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_080789	Fosfatasa ácida, testicular (ACPT) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A1, ARNm
NM_033068	Fosfatasa ácida, testicular (ACPT) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A, ARNm
NM_001649	Tipo proteína apical (<i>Xenopus laevis</i>) (APXL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014481	Tipo endonucleasa apurínica/apirimidínica 2 (APEXL2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_080649	Nucleasa APEX (enzima reparadora de ADN multifuncional) (APEX) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_080648	Nucleasa APEX (enzima reparadora de ADN multifuncional) (APEX) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001641	Nucleasa APEX (enzima reparadora de ADN multifuncional) (APEX) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_080839	Similar a gamma-glutamyltransferasa 1 (LOC91227) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080927	Proteína tipo a neuropilina derivada de células endoteliales y de músculo liso (ESDN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030969	Proteína MGC1223 hipotética (MGC1223) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080920	Actividad tipo gamma-glutamyltransferasa 4 (GGTLA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021168	Tipo RAR (GTPASA tipo RAS) (RARL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080842	Gen hipotético similar a actividad tipo gamma-glutamyltransferasa 1 (LOC129026) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031460	Canal de potasio, subfamilia K, miembro 17 (TASK-4) (KCNK17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033056	Protocadherina 15 (PCDH15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053283	Dermcidina (DCD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033518	Familia de transportadores de solutos 38, miembro 5 (SLC38A5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021160	Transcrito asociado a HLA-B 5 (BAT5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002279	Queratina, pelo, ácida, 3B (KRTHA3B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004138	Queratina, pelo, ácida, 3A (KRTHA3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016310	Polimerasa (ARN) III (dirigida a ADN) polipéptido K (12,3 kD) (POLR3K) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031991	Proteína de unión de tramo de polipirimidina 1 (PTBP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_031990	Proteína de unión de tracto de polipirimidina 1 (PTBP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002819	Proteína de unión de tracto de polipirimidina 1 (PTBP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_030930	Homólogo de unc-93 B1 (<i>C. elegans</i>) (UNC93B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_022454	Factor de transcripción de caja HMG relacionada con SRY SOX17 (SOX17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004652	Proteasa específica de ubiquitina 9, cromosoma X (<i>Drosophila</i> similar a fat facets) (USP9X) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_021906	Proteasa específica de ubiquitina 9, cromosoma X (<i>Drosophila</i> similar a fat facets) (USP9X) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_022349	4 dominios que atraviesan la membrana, subfamilia A, miembro 6A (MS4A6A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022122	Metaloproteínasa de matriz 27 (MMP27) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006387	Proteína del retículo endoplásmico de homeostasis de calcio (CHERP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006918	Tipo esteroil-C5-desaturasa (homólogo de ERG3 delta-5-desaturasa, fúngico) (SC5DL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020151	Que contiene dominio START 7 (STARD7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018976	Familia de transportadores de solutos 38, miembro 2 (SLC38A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013351	Caja T 21 (TBX21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006993	Nucleofosmina/nucleoplasmina, 3 (NPM3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002420	Canal catiónico de potencial del receptor transitorio, subfamilia M, miembro 1 (TRPM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007244	Rica 4 en prolina (lagrimal) (PROL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006758	Factor auxiliar de ARN nuclear pequeño de U2(RNU2) 1 (U2AF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006264	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 13 (fosfatasa asociada a APO-1/CD95 (Fas)) (PTPN13) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_006055	Tipo componente C de lantibiótico sintetasa LanC 1 (bacteriano) (LANCL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005716	Regulador de proteína 1 que interacciona con señalización de proteína G 19 (RGS19IP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005149	Caja T 19 (TBX19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004231	ATPasa, vacuolar, 14 kD (ATP6S14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000275	Albinismo oculocutáneo II (homólogo de dilución de conjuntivitis, ratón) (OCA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001384	Tipo proteína de resistencia a toxina diftérica requerida para biosíntesis de diftamida 2 (<i>S. cerevisiae</i>) (DPH2L2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000062	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado G (inhibidor de C1), miembro 1, (angioedema, hereditario) (SERPING1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003307	Canal catiónico de potencial del receptor transitorio, subfamilia M, miembro 2 (TRPM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003807	Superfamilia de factor de necrosis tumoral (ligando), miembro 14 (TNFSF14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002984	Citocina pequeña inducible A4 (SCYA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002105	Familia de histonas H2A, miembro X (H2AFX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005331	Hemoglobina, zeta 1 (HBQ1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000558	Hemoglobina, alfa 1 (HBA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000517	Hemoglobina, alfa 2 (HBA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012262	Heparán sulfato 2-O-sulfotransferasa 1 (HS2ST1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021213	Proteína de transferencia de fosfatidilcolina (PCTP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018960	Glicina N-metiltransferasa (GNMT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017807	O-sialoglucoproteína endopeptidasa (OSGEP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016732	Proteína de unión a ARN (autoantigénica, asociada a hnRNP con amarillo letal) (RALY) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_014483	Motivo de unión a ARN, proteína de interacción monocatenaria (RBMS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012320	Lisofosfolipasa 3 (LYPLA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000184	Hemoglobina, gamma G (HBG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005330	Hemoglobina, épsilon 1 (HBE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007367	Proteína de unión a ARN (autoantigénica, asociada a hnRNP con amarillo letal) (RALY) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005332	Hemoglobina, zeta (HBZ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005438	Antígeno tipo FOS 1 (FOSL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000158	Glucano (1,4-alfa-), enzima ramificante 1 (enzima ramificante de glucógeno, enfermedad de Yersen, enfermedad de almacenamiento de glucógeno tipo IV) (GBE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000559	Hemoglobina, gamma A (HBG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NG_000007	Región de globina beta genómica (HBB@) en el cromosoma 11
NG_000006	Región de globina alfa genómica (HBA@) en el cromosoma 16
NM_030964	Homólogo de sprouty 4 (<i>Drosophila</i>) (SPRY4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021181	Proteína 19A24 (CRACC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004654	Proteasa específica de ubiquitina 9, cromosoma Y (<i>Drosophila</i> similar a fat facets) (USP9Y) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018518	Deficiente en mantenimiento de minicromosoma 10 MCM10 (<i>S. cerevisiae</i>) (MCM10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018593	Familia de transportadores de solutos 16 (transportadores de ácido monocarboxílico), miembro 10 (SLC16A10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018240	Kin de tipo IRRE (<i>Drosophila</i>) (KIRREL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016004	Marco de lectura abierto 9 del cromosoma 20 (C20orf9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006841	Familia de transportadores de solutos 38, miembro 3 (SLC38A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003725	3-Alfa-hidroxiesteroide-deshidrogenasa oxidativa; retinol deshidrogenasa; 3-hidroxiesteroide-epimerasa (RODH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NG_000009	Grupo genómico de la familia de histonas pequeñas (HFS@) de <i>Homo sapiens</i> en el cromosoma 6
NM_080878	Lectina endotelial HL-2 (HL-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080876	Proteína fosfatasa (SKRP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080874	Que contiene repetición de anquirina y caja SOCS 5 (ASB5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080873	Que contiene repetición de anquirina y caja SOCS 11 (ASB11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080872	Proteína KIAA1777 (Unc5h4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080867	Supresor de señalización de citocina 4 (SOCS4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080864	Relaxina 3 (H3) (RLN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080863	Que contiene repetición de anquirina y caja SOCS 16 (ASB 16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080862	Proteína de caja SOCS que contiene dominio SPRY SSB-4 (SSB-4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080861	Proteína de caja SOCS que contiene dominio SPRY SSB-3 (SSB-3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080860	Homólogo de A2 específico de testículo (ratón) (TSGA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016150	Que contiene repetición de anquirina y caja SOCS 2 (ASB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016127	Proteína MGC8721 hipotética (MGC8721) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004170	Familia de transportadores de solutos 1 (transportador de glutamato de alta afinidad neuronal/epitelial, sistema Xag), miembro 1 (SLC1A1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_017611	Proteína DKFZp762A227 hipotética (DKFZp762A227) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025220	Dominio de disintegrina a y metaloproteínasa 33 (ADAM33) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018548	Regulado por disminución en cáncer de pulmón (HLCDGP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080740	Similar a región de repetición del cromosoma Y de Ovis aries OY11.1 (3'OY11.1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012163	Proteína de repetición de caja F y rica en leucina 9 (FBXL9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012304	Proteína de repetición de caja F y rica en leucina 7 (FBXL7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012160	Proteína de repetición de caja F y rica en leucina 4 (FBXL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_012159	Proteína de repetición de caja F y rica en leucina 3B (FBXL3B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012158	Proteína de repetición de caja F y rica en leucina 3A (FBXL3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012157	Proteína de repetición de caja F y rica en leucina 2 (FBXL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024555	Proteína de repetición de caja F y rica en leucina 6 (FBXL6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_012162	Proteína de repetición de caja F y rica en leucina 6 (FBXL6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033535	Proteína de repetición de caja F y rica en leucina 5 (FBXL5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_012161	Proteína de repetición de caja F y rica en leucina 5 (FBXL5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_002278	Queratina, pelo, ácida, 2 (KRTHA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033285	Proteína nuclear inducible de proteína tumoral p53 1 (TP53INP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002277	Queratina, pelo, ácida, 1 (KRTHA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032994	Región del cromosoma del síndrome Williams Beuren 14 (WBSCR14) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_032954	Región del cromosoma del síndrome Williams Beuren 14 (WBSCR14) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_032953	Región del cromosoma del síndrome Williams Beuren 14 (WBSCR14) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_032952	Región del cromosoma del síndrome Williams Beuren 14 (WBSCR14) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032951	Región del cromosoma del síndrome Williams Beuren 14 (WBSCR14) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NG_000008	Citocromogenómico P450, subfamilia IIA (inducible por fenobarbital) (CYP2A) en cromosoma 19
NM_030809	Marco de lectura abierto 22 del cromosoma 12 (C12orf22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004426	Regulador del desarrollo temprano 1 (homólogo de polihomeótico 1) (EDR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020244	Colina fosfotransferasa 1 (CHPT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019074	Tipo delta 4 (<i>Drosophila</i>) (DLL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018990	Marco de lectura abierto 9 del cromosoma X (CXorf9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017833	Marco de lectura abierto 55 del cromosoma 21 (C21orf55) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018255	Proteína elongadora 2 (ELP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014096	Proteína DKFZp762A227 hipotética (DKFZp762A227) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014927	Potenciador de conector de KSR2 (CNK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_012164	Proteína de dominio de caja F y WD-40 2 (FBXW2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012247	Proteína donadora de selenio (SPS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012165	Proteína de dominio de caja F y WD-40 3 (FBXW3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007198	Homólogo co-transcrito de prolina sintetasa (bacteriano) (PROSC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006011	Sialiltransferasa 8B (alfa-2,8-sialiltransferasa) (SIAT8B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005674	Proteína de dedo de cinc 239 (ZNF239) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001364	Discos, homólogo grande 2, chapsina-110 (<i>Drosophila</i>) (DLG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000646	Amilo-1,6-glucosidasa, 4-alfa-glucanotransferasa (enzima desramificante de glucógeno, enfermedad de almacenamiento de glucógeno tipo III) (AGL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 6, ARNm
NM_000645	Amilo-1,6-glucosidasa, 4-alfa-glucanotransferasa (enzima desramificante de glucógeno, enfermedad de almacenamiento de glucógeno tipo III) (AGL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_000644	Amilo-1,6-glucosidasa, 4-alfa-glucanotransferasa (enzima desramificante de glucógeno, enfermedad de almacenamiento de glucógeno tipo III) (AGL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000643	Amilo-1,6-glucosidasa, 4-alfa-glucanotransferasa (enzima desramificante de glucógeno, enfermedad de almacenamiento de glucógeno tipo III) (AGL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_000642	Amilo-1,6-glucosidasa, 4-alfa-glucanotransferasa (enzima desramificante de glucógeno, enfermedad de almacenamiento de glucógeno tipo III) (AGL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000028	Amilo-1,6-glucosidasa, 4-alfa-glucanotransferasa (enzima desramificante de glucógeno, enfermedad de almacenamiento de glucógeno tipo III) (AGL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_080831	Marco de lectura abierto 87 del cromosoma 20 (C20orf87) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080825	Marco de lectura abierto 144 del cromosoma 20 (C20orf144) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080823	Marco de lectura abierto 148 del cromosoma 20 (C20orf148) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017662	Canal catiónico de potencial del receptor transitorio, subfamilia M, miembro 6 (TRPM6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080744	Que contiene dominio rico en cisteína de receptor eliminador, grupo B (4 dominios) (SRCRB4D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000493	Colágeno, tipo X, alfa 1 (condrodisplasia metafisiaria de Schmid) (COL10A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_057096	Polipéptido de citocromo P450 43 (CYP3A43) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_014578	Familia génica de homólogo ras, miembro D (ARHD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020708	Familia de transportadores de solutos 12 (transportador de potasio-cloruro), miembro 5 (SLC12A5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016093	Tipo proteína ribosómica L26 1 (RPL26L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_057095	Polipéptido de citocromo P450 43 (CYP3A43) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_022820	Polipéptido de citocromo P450 43 (CYP3A43) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_052969	Tipo proteína ribosómica L39 (RPL39L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052970	Marco de lectura abierto 60 del cromosoma 20 (C20orf60) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052865	Marco de lectura abierto 72 del cromosoma 20 (C20orf72) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021029	Proteína ribosómica L36a (RPL36A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001001	Similar a proteína ribosómica L36a (RPL36AL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033645	Proteína de dominio de caja F y WD-40 1B (FBXW1B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033644	Proteína de dominio de caja F y WD-40 1B (FBXW1B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_012300	Proteína de dominio de caja F y WD-40 1B (FBXW1B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_022760	Marco de lectura abierto 81 del cromosoma 20 (C20orf81) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014958	Factor de intercambio de nucleótidos de guanina (GEF) Rho 15 (ARHGEF15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021810	Tipo cadherina 26 (CDH26) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030876	Receptor olfatorio, familia 5, subfamilia V, miembro 1 (OR5V1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031232	Proteína de unión a miembro 2, familia A de unión a proteína precursora amiloide beta (A4) (APBA2BP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_031231	Proteína de unión a miembro 2, familia A de unión a proteína precursora amiloide beta (A4) (APBA2BP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032554	Receptor acoplado a proteína G 81 (GPR81) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006462	Marco de lectura abierto 18 del cromosoma 20 (C20orf18) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031229	Marco de lectura abierto 18 del cromosoma 20 (C20orf18) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_031228	Marco de lectura abierto 18 del cromosoma 20 (C20orf18) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_031227	Marco de lectura abierto 18 del cromosoma 20 (C20orf18) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_031424	Marco de lectura abierto 55 del cromosoma 20 (C20orf55) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000518	Hemoglobina, beta (HBB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030959	Receptor olfatorio, familia 12, subfamilia D, miembro 3 (OR12D3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018661	Defensina, beta 3 (DEFB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022487	Reparación de entrecruzamiento de ADN 1C (homólogo de PS02, <i>S. cerevisiae</i>) (DCLRE1C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_022099	Marco de lectura abierto 51 del cromosoma 20 (C20orf51) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000668	Alcohol deshidrogenasa IB (clase 1), polipéptido beta (ADH1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021943	Secuencia expresada en testículo 27 (TEX27) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021640	Marco de lectura abierto 10 del cromosoma 12 (C12orf10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021215	Marco de lectura abierto 77 del cromosoma 20 (C20orf77) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012141	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 26 (DDX26) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021225	Rica 1 en prolina (PROL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006508	Tipo derivado de islote regenerador, tipo proteína de piedra pancreática, tipo proteína de hebra pancreática (rata) (REGL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020356	Marco de lectura abierto 32 del cromosoma 20 (C20orf32) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020369	Homólogo de fascina 3, proteína de empaquetamiento de actina, testicular (Strongylocentrotus purpuratus) (FSCN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020145	Endofilina similar a GRB2 de dominio SH3 B2 (SH3GLB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020125	Precursor de proteína de membrana similar a BCM (BLAME) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019025	Marco de lectura abierto 16 del cromosoma 20 (C20orf16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018679	Complejo t 11 (ratón) (TCP11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017589	Gen de translocación de linfocitos B 4 (BTG4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018692	Marco de lectura abierto 17 del cromosoma 20 (C20orf17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018697	Tipo componente C de lantibiótico sintetasa LanC (bacteriano) 2 (LANCL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018677	Acetil-coenzima A sintetasa 2 (formador de ADP) (ACAS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018431	Marco de lectura abierto 180 del cromosoma 20 (C20orf180) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018725	Receptor de interleucina 17B (IL17BR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM 018474	Marco de lectura abierto 19 del cromosoma 20 (C20orf19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018478	Marco de lectura abierto 35 del cromosoma 20 (C20orf35) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017896	Marco de lectura abierto 11 del cromosoma 20 (C20orf11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017874	Marco de lectura abierto 27 del cromosoma 20 (C20orf27) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017859	Tipo uridina cinasa 1 (URKL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017798	Marco de lectura abierto 21 del cromosoma 20 (C20orf21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017789	Dominio sema, dominio de inmunoglobulina (Ig), dominio transmembrana (TM) y dominio citoplásmico corto, (semaforina) 4C (SEMA4C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017714	Marco de lectura abierto 13 del cromosoma 20 (C20orf13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017671	Marco de lectura abierto 42 del cromosoma 20 (C20orf42) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018384	Tipo nucleótido asociado a inmune 4 1 (ratón) (IAN4L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018354	Marco de lectura abierto 46 del cromosoma 20 (C20orf46) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018347	Marco de lectura abierto 29 del cromosoma 20 (C20orf29) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018327	Marco de lectura abierto 38 del cromosoma 20 (C20orf38) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018282	Proteína paraspeckle 1 (PSP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018270	Marco de lectura abierto 20 del cromosoma 20 (C20orf20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018257	Marco de lectura abierto 36 del cromosoma 20 (C20orf36) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018197	Homólogo de proteína de dedo de cinc 64 (ratón) (ZFP64) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018010	Tipo receptor relacionado con estrógeno beta 1 (ESRRBL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017446	Proteína ribosómica mitocondrial L39 (MRPL39) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017429	Beta-caroteno 15, 15'-dioxigenasa (BCDO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016082	Marco de lectura abierto 34 del cromosoma 20 (C20orf34) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016610	Receptor tipo toll 8 (TLR8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016009	Endofilina tipo GRB2 de dominio SH3 B1 (SH3GLB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016408	Marco de lectura abierto 34 del cromosoma 20 (C20orf34) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016407	Marco de lectura abierto 43 del cromosoma 20 (C20orf43) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016319	Subunidad de homólogo fotomorfogénico constitutivo COP9 7A (Arabidopsis) (COP9 7A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015985	Angiopoyetina 4 (ANGPT4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015834	Adenosina desaminasa, específica de ARN, B1 (homólogo de rata RED1) (ADARB1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito DRADA2c, ARNm
NM_015833	Adenosina desaminasa, específica de ADN, B1 (homólogo de rata RED1) (ADARB1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito DRABA2b, ARNm
NM_014036	Precursor de proteína de membrana similar a BCM (BLAME) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014012	Unión a GTP similar a RAS (RAD y GEM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014841	Proteína asociada sinaptosómica, homólogo de 91 kD (ratón) (SNAP91) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014795	Caja homeótica de dedo de cinc 1b (ZFHX1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015313	Factor de intercambio de nucleótidos de guanina (GEF) Rho 12 (ARHGEF12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014784	Factor de intercambio de nucleótidos de guanina (GEF) Rho 11 (ARHGEF11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014862	Translocador nuclear de receptor de hidrocarburo de arilo 2 (ARNT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014054	Marco de lectura abierto 40 del cromosoma 20 (C20orf40) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015629	Homólogo del factor de procesamiento de pre-ARNm de PRP31 31 (levadura) (PRPF31) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015417	Marco de lectura abierto 28 del cromosoma 20 (C20orf28) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014625	Nefrosis 2, idiopático, resistente a esteroides (podocina) (NPHS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014592	Proteína que interacciona con el canal Kv 1 (KCNIP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014140	Regulador de cromatina dependiente de actina asociada a matriz relacionada con SWI/SNF, tipo subfamilia a 1 (SMARCA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013442	Tipo estomatina 2 (EPB72) (STOML2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013248	Factor de exportación similar a NUTF 1 (NXT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013316	Complejo de transcripción CCR4-NOT, subunidad (CNOT4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013348	Canal de potasio rectificado internamente, subfamilia J, miembro 14 (KCNJ14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013279	Marco de lectura abierto 9 del cromosoma 11 (C11orf9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012418	Homólogo de fascina 2, proteína de empaquetamiento de actina, retinal (Strongylocentrotus purpuratus) (FSCN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012201	Proteína del aparato de golgi 1 (GLG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000519	Hemoglobina, delta (HBD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006999	Polimerasa (dirigida a ADN) sigma (POLS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006719	Proteína LIM de unión a actina (ABLIM) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito ABLIM-m, ARNm
NM_002313	Proteína LIM de unión a actina (ABLIM) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito ABLIM-1, ARNm
NM_007238	Proteína de membrana peroxisómica 4 (24 kD) (PXMP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007184	Nischarina (NISCH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006720	Proteína LIM de unión a actina (ABLIM) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito ABLIM-s, ARNm
NM_007026	Fosfatasa de especificidad dual 14 (DUSP14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006837	Subunidad de homólogo fotomorfogénico constitutivo de COP9 5 (Arabidopsis) (COPS5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006614	Molécula de adhesión celular con homología a L1CAM (homólogo cercano de L1) (CHL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006410	Proteína inactiva de Tat del VIH 2, 30 kD (HTATIP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006432	Enfermedad de Niemann-Pick, tipo C2 (NPC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006348	Complejo transportador del golgi 1 (subunidad de 90 kD) (GOLTC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006408	Homólogo 2 de gradiente anterior (<i>Xenopus laevis</i>) (AGR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006106	Proteína asociada a Yes 1, 65 kD (YAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006096	Gen regulador en la dirección 3' de N-myc 1 (NDRG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006071	Enfermedad de riñón poliquístico (poliquistina) y tipo REJ (receptor de espermatozoides para homólogo de capa gelatinosa de ovocito, erizo marino) (PKDREJ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006092	Familia de dominio de reclutamiento de caspasas, miembro 4 (CARD4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005748	Factor asociado a YY1 2 (YAF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005715	Uronil-2-sulfotransferasa (UST) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005622	Homólogo asociado a hipertensión SA (rata) (SAH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005733	Tipo cinesina que interacciona con RAB6 (rabcinesina 6) (RAB6KIFL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005668	Sialiltransferasa 8D (alfa-2,8-polisialiltransferasa) (SIAT8D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005606	Legumaína (LGMN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004649	Marco de lectura abierto 33 del cromosoma 21 (C21orf33) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005469	Acil-CoA tioesterasa peroxisómica (PTE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005180	Región de inserción de Mo-MLV de linfoma B (ratón) (BM11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005108	Homólogo de xilulocinasa (<i>H. influenzae</i>) (XYLB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004610	Complejo t 10 (ratón) (TCP10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004579	Proteína cinasa cinasa cinasa cinasa activada por mitógeno 2 (MAP4K2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004086	Homólogo de factor de coagulación C, coclina (<i>Limulus polyphemus</i>) (COCH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004273	Hidrato de carbono (condroitina 6) sulfotransferasa 3 (CHST3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004902	Que contiene región de unión a ARN 2 (RNP1, RRM) (RNPC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004353	Inhibidor de serina (o cisteína) proteínasa, clado H (proteína 47 de choque térmico), miembro 1, (proteína 1 de unión a colágeno) (SERPINH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004317	Transportador de arsenito arsA, homólogo 1 de unión a ATP (bacteriano) (ASNA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001247	Ectonucleósido trifosfato difosfohidrolasa 6 (función putativa) (ENTPD6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003831	Supresor sudD de homólogo de bimD6 (<i>A. nidulans</i>) (SUDD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003143	Proteína de unión a ADN monocatenario (SSBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003098	Sintrofina, alfa 1 (proteína asociada a distrofina A1, 59 kD, componente ácido) (SNTA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003034	Sialiltransferasa 8A (alfa-N-acetilneuraminato/alfa-2,8-sialiltransferasa, GD3 sintasa) (SIAT8A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003028	Proteína adaptadora de SHB (que contiene dominio de homología 2 a Src) B (SHB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003579	Tipo RAD54 (<i>S. cerevisiae</i>) (RAD54L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002669	Regulador pleiotrópico 1 (homólogo de PRL1, Arabidopsis) (PLRG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000139	4 dominios que atraviesan la membrana, subfamilia A, miembro 1 (MS4A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003836	Homólogo tipo 1 de delta (<i>Drosophila</i>) (DLK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003653	Subunidad de homólogo fotomorfogénico constitutivo COP9 3 (Arabidopsis) (COPS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000083	Canal de cloruro 1, músculo esquelético (enfermedad de Thomsen, autosómica dominante) (CLCN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000691	Familia de aldehído deshidrogenasa 3, miembro A1 (ALDH3A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001112	Adenosina desaminasa, específica de ARN, B1 (homólogo de RED1 en rata) (ALDH3A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito DRADA2a, ARNm
NM_004370	Colágeno, tipo XII, alfa 1 (COL12A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito largo, ARNm
NM_080645	Colágeno, tipo XII, alfa 1 (COL12A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito corto, ARNm
NM_080681	Colágeno, tipo XI, alfa 2 (COL11A2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_080680	Colágeno, tipo XI, alfa 2 (COL11A2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_080679	Colágeno, tipo XI, alfa 2 (COL11A2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_003593	Hélice winged desnuda (WHN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000638	Vitronectina (factor de dispersión del suero, somatomedina B, proteína S de complemento) (VTN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080682	Molécula de adhesión celular vascular 1 (VCAM1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001078	Molécula de adhesión celular vascular 1 (VCAM1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_006115	Antígeno expresado preferentemente en melanoma (FRAME) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000175	Glucosa fosfato isomerasa (GP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020526	EphA8 (EPHA8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002109	Histidil-ARNt sintetasa (HARS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012208	Tipo histidil-ARNt sintetasa (HARSL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004608	Caja T 6 (TBX6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_080758	Caja T 6 (TBX6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_080718	Caja T 5 (TBX5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_080717	Caja T 5 (TBX5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000192	Caja T 5 (TBX5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_080832	Proteína de unión a poli(A), citoplásmica 5 (PABPC5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080824	Marco de lectura abierto 106 del cromosoma 20 (C20orf106) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080822	Supresor de tumor candidato OVCA2 (OVCA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080821	Marco de lectura abierto 108 del cromosoma 20 (C20orf108) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080820	Marco de lectura abierto 88 del cromosoma 20 (C20orf88) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080818	Receptor acoplado a proteína G 80 (GPR80) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080817	Receptor acoplado a proteína G 82 (GPR82) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080794	Proteína ribosómica mitocondrial L39 (MRPL39) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020973	Beta-glucosidasa citosólica (GLUC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_054112	Marco de lectura abierto 63 del cromosoma 20 (C20orf63) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052951	Marco de lectura abierto 167 del cromosoma 20 (C20orf167) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014145	Marco de lectura abierto 30 del cromosoma 20 (C20orf30) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033409	Marco de lectura abierto 54 del cromosoma 20 (C20orf54) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032013	Miembro de la familia de NDRG 3 (NDRG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032109	Homólogo de <i>orthopedia</i> (<i>Drosophila</i>) (OTP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024021	4 dominios que atraviesan la membrana, subfamilia A, miembro 4 (MS4A4A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022910	Miembro de la familia de NDRG 4 (NDRG4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025206	Tipo Fer-1 4 (<i>C. elegans</i>) (FER1L4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024960	Marco de lectura abierto 48 del cromosoma 20 (C20orf48) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024893	Marco de lectura abierto 39 del cromosoma 20 (C20orf39) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024299	Marco de lectura abierto 149 del cromosoma 20 (C20orf149) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024077	Proteína de unión a SECIS 2 (SBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022730	Subunidad de homólogo fotomorfogénico constitutivo COP9 7B (<i>Arabidopsis</i>) (COP9 7B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022574	Incremento de segregación postmeiótica 2 tipo 12 (PERQ1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022568	Familia de aldehído deshidrogenasa 8, miembro A1 (ALDH8A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022477	Miembro de la familia de NDRG 3 (NRG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022082	Marco de lectura abierto 59 del cromosoma 20 (C20orf59) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022058	Familia de transportadores de solutos 4, tipo transportador de bicarbonato de sodio, miembro 10 (SLC4A10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_021230	Leucemia de linaje mixto o mieloide/linfoide 3 (MLL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021145	Factor de transcripción 1 tipo myb de unión a ciclina D (DMTF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005238	Homólogo 1 de oncogén E26 de virus de eritroblastosis v-ets (aviar) (ETS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020465	Miembro de la familia de NDRG 4 (NDRG4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014227	Familia de transportadores de solutos 5 (cotransportador de glucosa de baja afinidad), miembro 4 (SLC5A4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015317	Homólogo de pumilio 2 (<i>Drosophila</i>) (PUM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015665	Acalasia, insuficiencia adrenocortical, alacrimia (Allgrove, triple A) (AAAS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021950	4 dominios que atraviesan la membrana, subfamilia A, miembro 2 (fragmento Fc de IgE, alta afinidad I, receptor de polipéptido beta) (MS4A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005589	Familia de aldehído deshidrogenasa 6, miembro A1 (ALDH6A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000533	Proteína de proteolípido 1 (enfermedad de Pelizaeus-Merzbacher, paraplejia espástica 2, no complicada) (PLP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016252	Que contiene repeticiones IAP baculovíricas 6 (apollon) (BIRC6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014351	Familia de sulfotransferasa 4A, miembro 1 (SULT4A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012323	Homólogo del oncogén de fibrosarcoma músculo-aponeurótico de v-maf F (aviar) (MAFF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006600	Homólogo del gen de distribución nuclear C (<i>A. nidulans</i>) (NUDC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006145	Homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia B, miembro 1 (DNAJB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005120	Que contiene repeticiones de trinucleótido 11 (proteína asociada a THR, subunidad de 230 kD) (TNRC11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001383	Proteína de resistencia a toxina diftérica requerida para la biosíntesis de diftalamida tipo 1 (<i>S. cerevisiae</i>) (DPH2L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001327	Antígeno de cáncer/testículo 1 (CTAG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080750	Marco de lectura abierto 143 del cromosoma 20 (C20orf143) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032819	Proteína de dedo de cinc 341 (ZNF341) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017895	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 27 (DDX27) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030782	Proteína relacionada con resistencia a cisplatino CRR9p (CRR9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080748	Marco de lectura abierto 52 del cromosoma 20 (C20orf52) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080743	Proteína represora de serina-arginina (35 kDa) (SRp35) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080742	UDP-glucuroniltransferasa-S (GLCATS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080741	Sialidasa 4 (NEU4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_080739	Marco de lectura abierto 141 del cromosoma 20 (C20orf141) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033550	Marco de lectura abierto 64 del cromosoma 20 (C20orf64) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080732	Homólogo de egl nueve 2 (C. elegans) (EGLN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_053046	Homólogo de egl nueve 2 (C. elegans) (EGLN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_025106	Proteína de caja SOCS que contiene dominio de SPRY SSB-1 (FLJ22393) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030760	Diferenciación endotelial, receptor 8 acoplado a proteína G de esfingolípido (EDG8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016069	Proteína asociada a mitocondria implicada en la transducción de señales de factores estimulantes de colonias de granulocitos-macrófagos (Mgmas) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_021205	Homólogo de Cdc42 sensible a Wnt-1 (WRCH-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032495	Proteína SMAP31 hipotética (SMAP31) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032556	Interleucina-1 HY2 (IL1HY2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014331	Familia de transportadores de solutos 7 (transportador de aminoácidos catiónicos, sistema y+) miembro 11 (SLC7A11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017564	Estabilina 2 (STAB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020924	Bioref (bioref) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015356	Scribble (SCRB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030648	Proteína que contiene domino SET 7 (SET7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018488	Caja T 4 (TBX4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016470	Cromosoma 20 map 20q13.11 de <i>Homo sapiens</i>
NM_080722	Tipo disintegrina a y metaloproteasa (tipo repolisina) con motivo de trombospondina tipo 1, 14 (ADAMTS14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080676	Marco de lectura abierto 133 del cromosoma 20 (C20orf133) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080674	Marco de lectura abierto 86 del cromosoma 20 (C20orf86) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080621	Marco de lectura abierto 136 del cromosoma 20 (C20orf136) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080608	Marco de lectura abierto 165 del cromosoma 20 (C20orf165) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080719	Proteína MGC4473 hipotética (MGC4473) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003495	Familia de histonas H4, miembro M (H4FM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020633	Tipo V1R 1 (V1RL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007259	Clasificación de proteína vacuolar 45A (levadura) (VPS45A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080631	Clasificación de proteína vacuolar 41 (levadura) (VPS41) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014396	Clasificación de proteína vacuolar 41 (levadura) (VPS41) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_018668	Clasificación de proteína vacuolar 33B (levadura) (VPS33B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022916	Clasificación de proteína vacuolar 33A (homólogo de rata) (VPS33A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003610	Homólogo 1 de exportación de ARN de RAE1 (<i>S. pombe</i>) (RAE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014061	Proteína APR-1 (MAGEH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001927	Desmina (DES) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080593	Miembro de familia de histonas (H2B/S) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080596	Miembro de familia de histonas (H2A/S) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001867	Subunidad VIIc de citocromo c oxidasa (COX7C) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_001866	Subunidad VIIb de citocromo c oxidasa (COX7B) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_004718	Tipo polipéptido 2 de la subunidad VIIa de citocromo c oxidasa (COX7A2L) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_001865	Polipéptido 2 de la subunidad VIIa de citocromo c oxidasa (hígado) (COX7A2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_001864	Polipéptido 1 de la subunidad VIIa de citocromo c oxidasa (músculo) (COX7A1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_006438	Miembro de subfamilia de colectina 10 (lectina tipo C) (COLEC10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080544	Subunidad de cola tipo colágeno (homotrímero monocatenario) de acetilcolinesterasa asimétrica (COLQ) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito VIII, ARNm
NM_080543	Subunidad de cola tipo colágeno (homotrímero monocatenario) de acetilcolinesterasa asimétrica (COLQ) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito VII, ARNm
NM_080542	Subunidad de cola tipo colágeno (homotrímero monocatenario) de acetilcolinesterasa asimétrica (COLQ) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito VI, ARNm
NM_080541	Subunidad de cola tipo colágeno (homotrímero monocatenario) de acetilcolinesterasa asimétrica (COLQ) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito V, ARNm
NM_080540	Subunidad de cola tipo colágeno (homotrímero monocatenario) de acetilcolinesterasa asimétrica (COLQ) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito IV, ARNm
NM_080539	Subunidad de cola tipo colágeno (homotrímero monocatenario) de acetilcolinesterasa asimétrica (COLQ) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito III, ARNm
NM_080538	Subunidad de cola tipo colágeno (homotrímero monocatenario) de acetilcolinesterasa asimétrica (COLQ) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito II, ARNm
NM_005677	Subunidad de cola tipo colágeno (homotrímero monocatenario) de acetilcolinesterasa asimétrica (COLQ) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito I, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_080592	Proteína relacionada con apoptosis APR-3 (APR-3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
MM 016085	Proteína relacionada con apoptosis APR-3 (APR-3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_014318	Proteína relacionada con apoptosis (APR-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001745	Ligando que modula calcio (CAMLG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004341	Carbamoil-fosfato sintetasa 2, aspartato transcarbamilasa y dihidroorotasa (CAD) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_032493	Complejo proteico relacionado con adaptador 1, subunidad de mu 1 (APIM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001128	Complejo proteico relacionado con adaptador 1, subunidad de gamma 1 (AP1G1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080545	Complejo proteico relacionado con adaptador 1, subunidad de gamma 2 (AP1G2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003917	Complejo proteico relacionado con adaptador 1, subunidad de gamma 2 (AP1G2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito I, ARNm
NM_080549	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 6 (ETPN6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_080548	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 6 (PTPN6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002831	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 6 (PTPN6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_002830	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 4 (megacariocito) (PTPN4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002829	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 3 (PTPN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080423	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 2 (PTPN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_080422	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 2 (PTPN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002828	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 2 (PTPN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_002827	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 1 (PTPN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014241	Tipo proteína tirosina fosfatasa (prolina en vez de arginina catalítica), miembro a (PTPLA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003479	Proteína tirosina fosfatasa tipo IVA, miembro 2 (PTP4A2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_080392	Proteína tirosina fosfatasa tipo IVA, miembro 2 (PTP4A2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_080391	Proteína tirosina fosfatasa tipo IVA, miembro 2 (PTP4A2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_080591	Prostaglandina-endoperóxido sintasa 1 (prostaglandina G/H sintasa y ciclooxigenasa) (PTGS1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000962	Prostaglandina-endoperóxido sintasa 1 (prostaglandina G/H sintasa y ciclooxigenasa) (PTGS1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004058	Calcifosina (CAPS) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_080590	Calcifosina (CAPS) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_006380	Proteína de unión a proteína de precursor beta amiloide 2 (cola citoplásmica) (APPBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003905	Proteína de unión a proteína de precursor beta amiloide 1, 59 kD (APPBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005783	Proteína de unión a ATP asociada a diferenciación celular (APACD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080600	Glucoproteína asociada a mielina (MAG) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002361	Glucoproteína asociada a mielina (MAG) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_005994	Caja T 2 (TBX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080647	Caja T 1 (TBX1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito C, ARNm
NM_080646	Caja T 1 (TBX1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A, ARNm
NM_080675	Tipo antígeno asociado a esperma 4 (SPAG4L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080617	Tipo precursor de cerebelina 1 (CBLNL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080611	Tipo fosfatasa de especificidad dual 15 (DUSP15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080610	Tipo cistatina 9 (ratón) (CST9L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080602	Complejo proteico 2/3 relacionado con actina, subunidad 3B (21 kD) (ARPC3B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NG_000011	Citocromo P450 genómico, subfamilia IIA (inducible por fenobarbital) (CYP2A.3@) en cromosoma 19
NM_016649	Marco de lectura abierto 6 del cromosoma 20 (C20orf6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080597	Proteína de unión a oxisterol tipo 1A (OSBPL1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080605	UDP-Gal:betaGlcNAc beta 1,3-galactosiltransferasa, polipéptido 6 (B3GALT6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058169	Pérdida de heterocigosidad 12, región cromosómica 1 (LOH12CR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058164	Olfatomedina 2 (OLFM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052866	ADAMTS tipo 1 (ADAMTSL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018030	Proteína de unión a oxisterol tipo 1A (OSBPL1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_033142	Gonadotropina coriónica, polipéptido beta 7 (CGB7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NG_000013	Grupo génico de complemento genómico MHC clase III (MCGC@) en el cromosoma 6
NM_020967	Coactivador de receptor nuclear 5 (NCOA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033044	Factor de reticulación de actina-microtúbulo 1 (MACF1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033024	Factor de reticulación de actina-microtúbulo 1 (MACF1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NG_000017	Grupo de procadherina beta genómica (PCDHB@) en el cromosoma 5
NM_015864	Marco de lectura abierto 32 del cromosoma 6 (C6orf32) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032188	Histona acetiltransferasa MYST1 (MYST1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030776	Marco de lectura abierto 183 del cromosoma 20 (C20orf183) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024918	Marco de lectura abierto 172 de cromosoma20(C20orf172) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024812	Leucemia cerebral y aguda, citoplásmica (BAALC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024777	Marco de lectura abierto 124 del cromosoma 20 (C20orf124) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024758	Agmatinasa (FLJ23384) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024641	Mandaselina (FLJ12838) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024331	Marco de lectura abierto 121 del cromosoma 20 (C20orf121) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024301	Proteína relacionada con fukutina (FKRP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005763	Aminoadipato-semialdehído sintasa (AASS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023935	Marco de lectura abierto 116 del cromosoma 20 (C20orf116) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021993	Proteína que interacciona con FUS (rica en serina-arginina) 2 (FUSIP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014555	Canal catiónico de potencial del receptor transitorio, subfamilia M, miembro 5 (TRPM5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000537	Renina (REN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016652	Crn, tipo crooked neck 1 (<i>Drosophila</i>) (CRNKL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021245	Miozenina 1 (MYOZ1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001967	Factor de inicio de traducción eucariota 4A, isoforma 2 (EIF4A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018649	Familia de histonas H2A, miembro Y2 (H2AFY2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015148	Serina/treonina cinasa que contiene dominio PAS (PASK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017902	Factor inducible por hipoxia 1, inhibidor de subunidad alfa (HIF1AN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018285	Marco de lectura abierto 12 del cromosoma 15 (C15orf12) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018267	Familia de histonas H2A, miembro J (H2AFJ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017555	Homólogo de egl nueve 2 (C. elegans) (EGLN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_016143	Ortólogo probable de rata p47 (P47) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015993	Plasmolipina (PMLP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014938	Interactor con Mix (MONDOA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014948	Ortólogo probable de proteína 5 que interacciona con enzima conjugadora de ubiquitina 7 de ratón (UBCE7IP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014016	Supresor SAC1 de tipo mutaciones de actina 1 (levadura) (SACM1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015156	Co-represor REST(RCOR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013337	Translocasa de homólogo de membrana mitocondrial interna 22 (levadura) (TIMM22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013233	Serina treonina cinasa 39 (homólogo de STE20/SPS1, levadura) (STK39) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006595	Inhibidor de apoptosis 5 (API5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006402	Proteína que interacciona con virus x de la hepatitis B (HBXIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006351	Translocasa de homólogo de membrana mitocondrial interna 44 (levadura) (TIMM44) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006327	Translocasa de homólogo de membrana mitocondrial interna 23 (levadura) (TIMM23) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006335	Translocasa de homólogo de membrana mitocondrial interna 17 A (levadura) (TIMM17A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006420	Factor de intercambio de nucleótidos de guanina de factor de ribosilación de ADP 2 (inhibida por brefeldina Aa) (ARFGEF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005992	Caja T 1 (TBX1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito B, ARNm
NM_005834	Translocasa de homólogo de membrana mitocondrial interna 17 B (levadura) (TIMM17B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000385	Acuaporina 1 (proteína integral formadora de canal, 28 kD) (AQP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002891	Factor de liberación de nucleótidos de guanina específico de proteína Ras 1 (RASGRF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000963	Prostaglandina-endoperóxido sintasa 2 (prostaglandina G/H sintasa y ciclooxigenasa) (PTGS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002792	Subunidad de proteasoma (prosome, macropaina), tipo alfa, 7 (PSMA7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002335	Proteína relacionada con receptor de lipoproteína de baja densidad 5 (LRP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001402	Factor de elongación de traducción eucariota 1 alfa 1 (EEF1A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080677	Cadena ligera de dineína 2 (Dlc2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_080672	Tipo Q9H4T4 (H17739) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080671	Canal de potasio abierto por tensión, subfamilia relacionada con Isk, gen 4 (KCNE4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080670	Similar a gen 2610030J16 de ADNc de RIKEN (MGC2541) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080669	Similar a gen 1110002C08 de ADNc de RIKEN (MGC9564) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080667	Similar a gen 4931428D14 de ADNc de RIKEN (MGC15407) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080665	Similar a gen B230118G17 de ADNc de RIKEN (MGC19604) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080664	Similar a gen 4930578F06 de ADNc de RIKEN (MGC9912) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080662	Similar a gen 1810022F11 de ADNc de RIKEN (MGC4281) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080660	Similar a gen 1200014N16 de ADNc de RIKEN (MGC14289) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080659	Similar a gen 2310030G06 de ADNc de RIKEN (MGC14839) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080657	Vipirina (cig5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080655	Similar a gen 5730528L13 de ADNc de RIKEN (MGC17337) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080654	Antígeno de NY-REN-41 (NY-REN-41) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080653	Similar a gen 4930500C14 de ADNc de RIKEN (MGC9341) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080652	Similar a gen 5730578N08 de ADNc de RIKEN (MGC15397) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004296	Regulador de señalización de proteína G 6 (RGS6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014234	Tipo FabG (beta-cetoacil-[proteína transportadora de acilo]reductasa, <i>E. coli</i>) (<i>E. coli</i>) (FABGL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024775	Gemina 6 (GEMIN6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080626	Proteína de unión a BRI3 (BRI3BP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080625	Marco de lectura abierto 160 del cromosoma 20 (C20orf160) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080616	Marco de lectura abierto 112 del cromosoma 20 (C20orf112) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080612	Miembro de la familia DOS/Gab 3 (GAB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080607	Marco de lectura abierto 102 del cromosoma 20 (C20orf102) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080603	Marco de lectura abierto 162 del cromosoma 20 (C20orf162) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032019	Histona desacetilasa 10 (HDAC10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030815	Marco de lectura abierto 126 del cromosoma 20 (C20orf126) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020841	Tipo proteína de unión a oxiesterol 8 (OSBPL8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020764	Proteína que interacciona con casp 1 (CASKIN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016436	Marco de lectura abierto 104 del cromosoma 20 (C20orf104) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_022104	Marco de lectura abierto 67 del cromosoma 20 (C20orf67) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080546	Antígeno de CDw92 (CDW92) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015511	Marco de lectura abierto 4 del cromosoma 20 (C20orf4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002116	Complejo mayor de histocompatibilidad, clase I, A (HLA-A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023017	Potenciador de fosfoinosítido-3-cinasa (PIKE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020933	Proteína de dedo de cinc 317 (ZNF317) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005037	Receptor activado por peroxisoma proliferativo, gamma (PPARG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018206	Clasificación de proteína vacuolar 35 (levadura) (VPS35) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014003	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 38 (DDX38) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006445	Homólogo de factor 8 de procesamiento de pre-ARNm de PRP8 (levadura) (PRPF8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003675	Factor de procesamiento de pre-ARNm 18 (PRP18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006214	Fitanoil-CoA hidroxilasa (enfermedad de Refsum) (PHYH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004374	Subunidad VIc de citocromo c oxidasa (COX6C) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_001863	Subunidad VIb de citocromo c oxidasa (COX6B) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_005205	Polipéptido 2 de la subunidad VIa de citocromo c oxidasa (COX6A2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_004373	Polipéptido 1 de la subunidad VIa de citocromo c oxidasa (COX6A1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_032609	Isoforma 2 de la subunidad IV de citocromo c oxidasa (COX4I2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_032489	Proteína de unión a acrosina (ACRBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080476	Tipo ciclo de la división celular de 91 CDC91 1 (<i>S. cerevisiae</i>) (CDC91L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080473	Proteína de unión a GATA 5 (GATA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002121	Complejo mayor de histocompatibilidad, clase II, DP beta 1 (HLA-DPB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_078470	Homólogo de COX15, proteína de ensamblaje de citocromo c oxidasa (levadura) (COX15) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito 1, ARNm
NM_004375	Homólogo de COX11, proteína de ensamblaje de citocromo c oxidasa (levadura) (COX11) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_001303	Homólogo de COX10, proteína de ensamblaje de citocromo c oxidasa, hemo A/farnesiltransferasa (levadura) (COX10) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
MM_054028	Enzima condensadora de aci-malonilo (AMAC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032485	Marco de lectura abierto 154 del cromosoma 20 (C20orf154) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033342	Que contiene motivo tripartito 7 (TRIM7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033421	Marco de lectura abierto 161 del cromosoma 20 (C20orf161) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033197	Marco de lectura abierto 114 del cromosoma 20 (C20orf114) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020866	Tipo kelch 1 (<i>Drosophila</i>) (KLHL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032883	Marco de lectura abierto 100 del cromosoma 20 (C20orf100) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032523	Tipo proteína de unión a oxiterol 6 (OSBPL6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020896	Tipo proteína de unión a oxiterol 5 (OSBPL5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015550	Tipo proteína de unión a oxiterol 3 (OSBPL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031473	Gen asociado a deficiencia en carnitina expresado en ventrículo 1 (CDV-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030801	Proteína MAGE-E1 (MAGE-E1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025128	Endonucleasa MUS81 (MUS81) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024958	Marco de lectura abierto 98 del cromosoma 20 (C20orf98) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024663	Tipo aminopeptidasa 1 (NPEPL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024586	Tipo proteína de unión a oxiterol 9 (OSBPL9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024120	Marco de lectura abierto 7 del cromosoma 20 (C20orf7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022776	Tipo proteína de unión a oxiterol 11 (OSBPL11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022109	Antígeno de CDw92 (CDW92) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022088	Proteína de dedo de cinc 338 (ZNF338) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021158	Marco de lectura abierto 97 del cromosoma 20 (C20orf97) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021232	Prolina deshidrogenasa (oxidasa) 2 (PRODH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021220	Proteína de dedo de cinc 339 (ZMF339) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021039	Proteína de unión a calcio de S100 A14 (calgizarina) (S100A14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020659	Homólogo de tweety 1 (<i>Drosophila</i>) (TTYH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018972	Proteína asociada a diferenciación inducida por gangliósido 1 (GDAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017921	Proteína FLJ20657 hipotética (NPL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017784	Tipo proteína de unión oxiterol 10 (OSBPL10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017731	Tipo proteína de unión oxiterol 7 (OSBPL7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018209	Proteína activadora de GTPasa del factor de ribosilación de ADP 1 (ARF1GAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018102	Proteína de dedo de cinc 334 (ZNF334) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_015891	Factor de corte y empalme de pre-ARNm 17 (PRP17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016599	Miozenina 2 (MYOZ2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014962	Que contiene dominio BTB 3 (POZ) (BTBD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014835	Tipo proteína de unión a oxiterol 2 (OSBPL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014723	Sintafilina (SNPH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014183	Cadena ligera de dineína 2A (DNLC2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014055	Gen asociado a deficiencia en carnitina expresado en ventrículo 1 (CDV-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014477	Marco de lectura abierto 10 del cromosoma 20 (C20orf10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012261	Marco de lectura abierto 103 del cromosoma 20 (C20orf103) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013369	Tipo ADN (citosina-5-)-metiltransferasa 3 (DNMT3L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012469	Marco de lectura abierto 14 del cromosoma 20 (C20orf14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012291	Tipo núcleos del huso extra 1 (<i>S. cerevisiae</i>) (ESPL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007002	Molécula reguladora de adhesión 1 (ADRM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006809	Translocasa de membrana mitocondrial externa 34 (AMM34) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006813	Rica en prolina 2 (PROL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002509	Homólogo de factor de transcripción NK2 B (<i>Drosophila</i>) (NKX2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080474	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado B (albúmina de huevo), miembro 12 (SERPINB12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006009	Tubulina, alfa 3 (TUBA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003463	Proteína tirosina fosfatasa tipo IVA, miembro 1 (PTP4A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019888	Receptor de melanocortina 3 (MC3R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001846	Colágeno, tipo TV, alfa 2 (COL4A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_079422	Miosina, polipéptido ligero 1, alcalino; esquelético, rápido (MYL1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3f, ARNm
NM_079420	Miosina, polipéptido ligero 1, alcalino; esquelético, rápido (MYL1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1f, ARNm
NM_000795	Receptor de dopamina D2 (DRD2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_016574	Receptor de dopamina D2 (DRD2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_079837	Proteína nuclear asociada a BTG3 (BANP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_017869	Proteína nuclear asociada a BTG3 (BANP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_079425	Miosina, polipéptido ligero 6, alcalino, músculo liso y no de músculo (MYL6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_079424	Miosina, polipéptido ligero 6, alcalino, músculo liso y no de músculo (MYL6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_079423	Miosina, polipéptido ligero 6, alcalino, músculo liso y no de músculo (MYL6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_021019	Miosina, polipéptido ligero 6, alcalino, músculo liso y no de músculo (MYL6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004509	Proteína del cuerpo nuclear SP110 (SP110) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_080424	Proteína del cuerpo nuclear SP110 (SP110) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito c, ARNm
NM_004510	Proteína del cuerpo nuclear SP110 (SP110) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_004574	Tipo peanut 2 (<i>Drosophila</i>) (PNUTL2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_080417	Tipo peanut 2 (<i>Drosophila</i>) (PNUTL2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_080416	Tipo peanut 2 (<i>Drosophila</i>) (PNUTL2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_080415	Tipo peanut 2 (<i>Drosophila</i>) (PNUTL2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002117	Complejo mayor de histocompatibilidad, clase I, C (HLA-C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005514	Complejo mayor de histocompatibilidad, clase I, B (HLA-B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001807	Mitocondrias de <i>Homo sapiens</i> , genoma completo
NM_080489	Proteína de unión a sindecano 2 (sinténina) (SDCBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001997	Virus del sarcoma murino de Finkel-Biskis-Reilly (FBR-MuSV) expresado de forma ubicua (derivado de fox); proteína ribosómica S30 (FAU) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_057179	Ortólogo probable de proteína de bHLH relacionada con twist en ratón y rata Dermo-1 (DERMO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001008	Proteína ribosómica S4, enlazada con Y (RPS4Y) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001007	Proteína ribosómica S4, enlazada con X (RPS4X) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005192	Inhibidor de cinasa dependiente de ciclina 3 (fosfatasa de especificidad dual asociada a CDK2) (CDKN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_079421	Inhibidor de cinasa dependiente de ciclina 2D (P19, inhibe CDK4) (CDKN2D) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001800	Inhibidor de cinasa dependiente de ciclina 2D (P19, inhibe CDK4) (CDKN2D) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_078626	Inhibidor de cinasa dependiente de ciclina 2C (P18, inhibe CDK4) (CDKN2C) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001262	Inhibidor de cinasa dependiente de ciclina 2C (P18, inhibe CDK4) (CDKN2C) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_078487	Inhibidor de cinasa dependiente de ciclina 2B (P15, inhibe CDK4) (CDKN2B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004936	Inhibidor de cinasa dependiente de ciclina 2B (P15, inhibe CDK4) (CDKN2B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
MM_004896	Clasificación de proteína vacuolar 26 (levadura) (VPS26) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052945	Receptor BAFF (BAFFR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022648	Tensina (TNS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_078480	Represor que interacciona con proteína de unión a fuse (SIAHBP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_014281	Represor que interacciona con proteína de unión a fuse (SIAHBP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004740	Factor antiapoptótico inducido por TGFB1 1 (TIAF1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_078471	Factor antiapoptótico inducido por TGFB1 1 (TIAF1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001852	Colágeno, tipo IX, alfa 2 (COL9A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_078485	Colágeno, tipo IX, alfa 1 (COL9A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001851	Colágeno, tipo IX, alfa 1 (COL9A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_054026	Complejo de transcripción de CCR4-NOT, subunidad 7 (CNOT7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_013354	Complejo de transcripción de CCR4-NOT, subunidad 7 (CNOT7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004064	Inhibidor de cinasa dependiente de ciclina 1B (p27, Kip1) (CDKN1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000389	Inhibidor de cinasa dependiente de ciclina 1A (p21, Cip1) (CDKN1A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_078467	Inhibidor de cinasa dependiente de ciclina 1A (p21, Cip1) (CDKN1A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003936	Cinasa dependiente de ciclina 5, subunidad 2 reguladora (p39) (CDK5R2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004642	Proteína asociada a CDK2 1 (CDK2AP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_078481	Antígeno de CD97 (CD97) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001784	Antígeno de CD97 (CD97) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_080432	Proteína de clasificación de proteínas vacuolares 18 (VPS18) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_020857	Proteína de clasificación de proteínas vacuolares 18 (VPS18) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_080414	Clasificación de proteína vacuolar 16 (levadura) (VPS16) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_080413	Clasificación de proteína vacuolar 16 (levadura) (VPS16) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_022575	Clasificación de proteína vacuolar 16 (levadura) (VPS16) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_021729	Clasificación de proteína vacuolar 11 (levadura) (VPS11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005806	Factor de transcripción de linaje de oligodendrocito 2 (OLIG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012106	Agente de unión de Arl dos (BART1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006095	ATPasa, transportador de aminofosfolípidos (APLT), clase I, tipo 8A, miembro 1 (ATP8A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058241	Ciclina T2 (CCNT2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_001241	Ciclina T2 (CCNT2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_001240	Ciclina T1 (CCNT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000474	Homólogo de twist (acrocefalosindactilia 3; síndrome de Saethre-Chotzen) (<i>Drosophila</i>) (TWIST) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080475	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado B (albúmina de huevo), miembro 11 (SERPINB11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021209	Proteína de dominio de reclutamiento de caspasa 12 (CARD12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014550	Proteína de dominio de reclutamiento de caspasa 10 (CARD10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012287	Centaurina, beta 2 (CENTB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007049	Butirofilina, subfamilia 2, miembro A1 (BTN2A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_078476	Butirofilina, subfamilia 2, miembro A1 (BTN2A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004444	EphB4 (EPHB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_004443	EphB3 (EPHB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004442	EphB2 (EPHB2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_017449	EphB2 (EPHB2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004535	Factor de transcripción de mielina 1 (MYT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006800	Tipo letal específico masculino 3 1 (<i>Drosophila</i>) (MSL3L1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_078630	Tipo letal específico masculino 3 1 (<i>Drosophila</i>) (MSL3L1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_078629	Tipo letal específico masculino 3 1 (<i>Drosophila</i>) (MSL3L1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_078628	Tipo letal específico masculino 3 1 (<i>Drosophila</i>) (MSL3L1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_080431	Proteína relacionada con actina M2 (ARPM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080430	Selenoproteína SelM (SELM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052944	Cotransportador acoplado de sodio putativo RKST1 (RKST1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024831	Proteína que interacciona con coactivador de receptor nuclear 6 (NCOA6IP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032803	Familia de transportadores de solutos 7 (transportador de aminoácidos catiónicos, sistema y+), miembro 3 (SLC7A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080385	Carboxipeptidasa A5 (CPA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016476	Homólogo de subunidad de complejo promotor de anafase 11 APC11 (levadura) (ANAPC11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080389	Defensina, beta 4 (DEFB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032646	Homólogo de tweety 2 (<i>Drosophila</i>) (TTYH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006928	Homólogo de silver (ratón) (SILV) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080390	Proteína my048 (my048) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080388	Proteína MGC17528 hipotética (MGC17528) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080387	Receptor tipo lectina tipo C (CLEC-6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080284	Casete de unión a ATP, sub-familia A (ABC1), miembro 6 (ABCA6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080283	Casete de unión a ATP, sub-familia A (ABC1), miembro 9 (ABCA9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_080282	Casete de unión a ATP, sub-familia A (ABC1), miembro 10 (ABCA10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006549	Proteína cinasa cinasa dependiente de calcio/calmodulina 2, beta (CAMKK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007200	Proteína de anclaje a cinasa A 13 (PRKA) (AKAP13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002476	Miosina, polipéptido ligero 4, alcalino; auricular, embrionario (MYL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001853	Colágeno, tipo IX, alfa 3 (COL9A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006001	Tubulina, alfa 2 (TUBA2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_079836	Tubulina, alfa 2 (TUBA2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_006000	Tubulina, alfa 1 (específica de testículo) (TUBA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004376	Homólogo de COX 15, proteína de ensamblaje de citocromo c oxidasa (levadura) (COX 15) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito 2, ARNm
NM_024407	Proteína Fe-S 7 de NADH deshidrogenasa (ubiquinona) (20 kD) (NADH-coenzima Q reductasa) (NDUFS7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_078625	Vanina 3 (VNN3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018399	Vanina 3 (VNN3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_078488	Vanina 2 (VNN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004665	Vanina 2 (VNN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_013245	Factor de clasificación de proteína vacuolar 4A (VPS4A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058240	Familia de transportadores de solutos 8 (intercambiador de sodio-calcio), miembro 3 (SLC8A3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_033262	Familia de transportadores de solutos 8 (intercambiador de sodio-calcio), miembro 3 (SLC8A3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_004869	Supresor de defecto de transportador de K ⁺ 1 (SKD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM 078474	Proteína tipo BBP 2 (BLP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1. ARNm
NM_025141	Proteína tipo BBP 2 (BLP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2. ARNm
NM_078473	Proteína tipo BBP 1 (BLP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031940	Proteína tipo BBP 1 (BLP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_020749	Proteína que interacciona con receptor AT2 1 (AT2P2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018672	Casete de unión a ATP, subfamilia A (ABC1), miembro 5 (ABCA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020177	Homólogo a de feminización 1 (FEM1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002088	Receptor de glutamato, ionotrópico, kainato 5 (GRIK5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006835	Ciclina I (CCNI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001239	Ciclina H (CCNH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014286	Homólogo de frecuenina (<i>Drosophila</i>) (FREQ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006650	Complexina 2 (CPLX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006651	Complexina 1 (CPLX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006463	Molécula asociada con el dominio de SH3 de STAM (AMSH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001850	Colágeno, tipo VIII, alfa 1 (COL8A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000094	Colágeno, tipo VII, alfa 1 (epidermólisis bullosa, distrópica, dominante y recesiva) (COL7A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000077	Inhibidor de cinasa dependiente de ciclina 2A (melanoma, p16, inhibe CDK4) (CDKN2A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_058197	Inhibidor de cinasa dependiente de ciclina 2A (melanoma, p16, inhibe CDK4) (CDKN2A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_058196	Inhibidor de cinasa dependiente de ciclina 2A (melanoma, p16, inhibe CDK4) (CDKN2A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_058195	Inhibidor de cinasa dependiente de ciclina 2A (melanoma, p16, inhibe CDK4) (CDKN2A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014800	Envolvimiento y motilidad celular 1 (homólogo de ced-12, <i>C. elegans</i>) (ELMO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_079834	Proteína de membrana transportadora secretora 4 (SCAMP-4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019110	Proteína P1 p373c6 hipotética (P1P373C6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022086	Envolvimiento y motilidad celular 2 (homólogo de ced-12, <i>C. elegans</i>) (ELMO2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058183	Proteína de unión a ADN de SON (SON) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003103	Proteína de unión a ADN de SON (SON) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030767	Factor de transcripción AKNA de AT-gancho (AKNA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058191	Marco de lectura abierto 66 del cromosoma 21 (C21orf66) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015657	Casete de unión a ATP, subfamilia A (ABC1), miembro 12 (ABCA12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020427	Componente B de ARS (ARS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021638	Proteína asociada a filamento de actina (AFAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005782	Coactivador transcripcional (ALY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031916	Proteína de espermatozoide asociada a AKAP (ASP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024083	Región del cromosoma del sarcoma alveolar de partes blandas, candidato 1 (ASPSR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058230	Proteína de dedo de cinc 354B (ZNF354B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021935	Homólogo de Bv8 de ratón (Bombina variegata 8 kDa); precursor de procinetina 2 (BV8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015399	Supresor de metástasis del cáncer de mama 1 (BRMS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007073	Sustancia pericárdica de los vasos sanguíneos (BVES) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017726	Proteína fosfatasa 1, subunidad (inhibidor) reguladora 14D (PPP1R14D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006451	Proteína que interacciona con proteína de unión a poliadenilato 1 (PAIP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018073	Proteína de SSA SS-56 (SS-56) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032812	Precursor relacionado con marcador 7 endotelial tumoral (TEM7R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022748	Marcador 6 endotelial tumoral (TEM6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032777	Precursor relacionado con marcador 5 endotelial tumoral (TEM5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022779	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 31 (DDX31) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018454	Proteína nucleolar ANKT (ANKT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016489	Uridina 5' monofosfato hidrolasa 1 (UMPH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_078483	Transportador de aminoácidos lisosómico 1 (LYAAT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_019606	Proteína FLJ20257 hipotética (FLJ20257) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015256	Ácido graso-coenzima A ligasa, cadena larga 6 (FACL6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003393	Familia de sitio de integración MMTV tipo wingless, miembro 8B (WNT8B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058244	Familia de sitio de integración MMTV tipo wingless, miembro 8A (WNT8A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_058238	Familia de sitio de integración MMTV tipo wingless, miembro 7B (WNT7B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004625	Familia de sitio de integración MMTV tipo wingless, miembro 7A (WNT7A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058242	Queratina 6C (KRT6C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005555	Queratina 6B (KRT6B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005554	Queratina 6A (KRT6A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058207	Antígeno asociado a esperma 11 (SPAG11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito E, ARNm
NM_058206	Antígeno asociado a esperma 11 (SPAG11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito B, ARNm
NM_058203	Antígeno asociado a esperma 11 (SPAG11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito C, ARNm
NM_058202	Antígeno asociado a esperma 11 (SPAG11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito H, ARNm
NM_058201	Antígeno asociado a esperma 11 (SPAG11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito D, ARNm
NM_058200	Antígeno asociado a esperma 11 (SPAG11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito G, ARNm
NM_016512	Antígeno asociado a esperma 11 (SPAG11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A, ARNm
NM_057180	Clasificación de proteína vacuolar 29 (levadura) (VPS29) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_016226	Clasificación de proteína vacuolar 29 (levadura) (VPS29) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_053004	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), tipo polipéptido beta 1 (GNB1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003902	Proteína de unión a elemento en la dirección 5' lejano (FUSE) 1 (FUBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058217	Homólogo de RAD51 C (<i>S. cerevisiae</i>) (RAD51C) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_058216	Homólogo de RAD51 C (<i>S. cerevisiae</i>) (RAD51C) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_002876	Homólogo de RAD51 C (<i>S. cerevisiae</i>) (RAD51C) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_058179	Fosfoferina aminotransferasa (PSA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_021154	Fosfoferina aminotransferasa (PSA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_078469	Proteína que interacciona con BRCA2 y CDKN1A (BCCIP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito C, ARNm
NM_078468	Proteína que interacciona con BRCA2 y CDKN1A (BCCIP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito B, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016567	Proteína que interacciona con BRCA2 y CDKN1A (BCCIP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A, ARNm
NM_058177	Histona desacetilasa 9 (pendiente de HDAC9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_058176	Histona desacetilasa 9 (pendiente de HDAC9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_022110	Tipo proteína de unión a FK506 (FKBPL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012181	Proteína de unión a FK506 8 (38 kD) (FKBP8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003602	Proteína de unión a FK506 6 (36 kD) (FKBP6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004117	Proteína de unión a FK506 5 (FKBP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002014	Proteína de unión a FK506 4 (59 kD) (FKBP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_057092	Proteína de unión a FK506 2 (13 kD) (FKBP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004470	Proteína de unión a FK506 2 (13 kD) (FKBP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004116	Proteína de unión a FK506 1B (12,6 kD) (FKBP1B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_054033	Proteína de unión a FK506 1B (12,6 kD) (FKBP1B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000801	Proteína de unión a FK506 1A (12 kD) (FKBP1A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 12B, ARNm
NM_054014	Proteína de unión a FK506 1A (12 kD) (FKBP1A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 12A, ARNm
NM_057175	Proteína FLJ13340 hipotética (FLJ13340) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_025085	Proteína FLJ13340 hipotética (FLJ13340) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_014708	Asociado a cinetocoro 1 (KNTC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058199	Olfacamedina 1 (OLFM1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_014279	Olfacamedina 1 (OLFM1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_057174	Factor de biogénesis peroxisómico 16 (PEX16) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_033118	Cinasa de ligera cadena de miosina 2, músculo esquelético (MYLK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019117	Tipo kelch 4 (<i>Drosophila</i>) (KLHL4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_005103	Proteína de fasciculación y elongación zeta 1 (zigina I) (FEZ1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_022549	Proteína de fasciculación y elongación zeta 1 (zigina I) (FEZ1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005112	Dominio de repetición de WD 1 (WDR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_017491	Dominio de repetición de WD 1 (WDR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001862	Subunidad Vb de citocromo c oxidasa (COX5B) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004255	Subunidad Va de citocromo c oxidasa (COX5A) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_057162	Tipo kelch 4 (<i>Drosophila</i>) (KLHL4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_033427	Proteína de unión a cortactina 2 (CORTBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001799	Cinasa dependiente de ciclina 7 (homólogo de MO15, <i>Xenopus laevis</i> , cinasa activadora de cdk) (CDK7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_057089	Complejo proteico relacionado con adaptador 1, subunidad sigma 1 (AP1S1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001283	Complejo proteico relacionado con adaptador 1, subunidad sigma 1 (AP1S1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_005148	Homólogo de unc-119 (<i>C. elegans</i>) (UNC119) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_054035	Homólogo de unc-119 (<i>C. elegans</i>) (UNC119) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_017675	Protocadherina LKC (PC-LKC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002401	Proteína cinasa cinasa cinasa activada por mitógeno 3 (MAP3K3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003728	Homólogo de unc-5 B (<i>C. elegans</i>) (UNC5C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004673	Tipo angiopoyetina 1 (ANGPTL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_054016	Proteína que interacciona con FUS 1 (rica en serina-arginina) (FUSIP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_006625	Proteína que interacciona con FUS 1 (rica en serina-arginina) (FUSIP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_054027	Anquilosis, homólogo progresivo (ratón) (ANKH) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_019847	Anquilosis, homólogo progresivo (ratón) (ANKH) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_006363	Homólogo de Sec23 B (<i>S. cerevisiae</i>) (SEC23B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032986	Homólogo de Sec23 B (<i>S. cerevisiae</i>) (SEC23B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_032985	Homólogo B de Sec23 (<i>S. cerevisiae</i>) (SEC23B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_053285	Tectina 1 (TEKT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018440	Fosfoproteína asociada a microdominios enriquecidos en glucoesfingolípidos (PAG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM 014479	Tipo ADAM, decisina 1 (ADAMDEC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016545	Respuesta temprana inmediata 5 (IER5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052820	Coronina, proteína de unión a actina, 2A (CORO2A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003389	Coronina, Proteína de unión a actina, 2A (CORO2A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032587	Familia de dominio de reclutamiento de caspasa, miembro 6 (CARD6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052814	Familia de dominio de reclutamiento de caspasa, miembro 9 (CARD9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_052813	Familia de dominio de reclutamiento de caspasa, miembro 9 (CARD9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_022352	Familia de dominio de reclutamiento de caspasa, miembro 9 (CARD9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_052978	Que contiene motivo tripartito 9 (TRIM9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_015163	Que contiene motivo tripartito 9 (TRIM9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_052840	Tipo bruno 6, proteína de unión a ARN (<i>Drosophila</i>) (BRUNOL6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000967	Proteína ribosómica L3 (RPL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015125	Homólogo de capicúa (<i>Drosophila</i>) (CIC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018256	Dominio de repetición de WD 12 (WDR12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016601	Canal de potasio, subfamilia K, miembro 9 (TASK-3) (KCNK9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033415	Gen hipotético MGC19595 (MGC19595) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001253	Tipo ciclo división celular 5 CDC5 (<i>S. pombe</i>) (CDC5L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007065	Homólogo de ciclo división celular 37 CDC37 (<i>S. cerevisiae</i>) (CDC37) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003504	Tipo ciclo de división celular 45 CDC45 (<i>S. cerevisiae</i>) (CDC45L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006035	Proteína cinasa beta de unión a CDC42 (tipo DMPK) (CDC42BPB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_044472	Ciclo de división celular 42 (proteína de unión a GTP, 25 kD) (CDC42) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001791	Ciclo de división celular 42 (proteína de unión a GTP, 25 kD) (CDC42) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001254	Homólogo de ciclo de división celular 6 CDC6 (<i>S. cerevisiae</i>) (CDC6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022894	Poli(A) polimerasa gamma (PAPOLG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033655	Molécula de reconocimiento celular CASPR3 (CASPR3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_024879	Molécula de reconocimiento celular CASPR3 (CASPR3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_012115	Proteína asociada a CASP8 2 (CASP8AP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012173	Sólo proteína de caja F 25 (FBXO25) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033624	Sólo proteína de caja F 21 (FBXO21) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_015002	Sólo proteína de caja F 21 (FBXO21) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_033625	Proteína ribosómica L34 (RPL34) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000995	Proteína ribosómica L34 (RPL34) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033540	Mitofusina 1 (MFN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_005612	Factor de transcripción silenciador RE1 (REST) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007085	Tipo foliestatina 1 (FSTL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000993	Proteína ribosómica L31 (RPL31) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012180	Sólo proteína de caja F 8 (FBXO8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033182	Proteína de caja F FBX30 (FBX30) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033406	Sólo proteína de caja F 3 (FBXO3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_012175	Sólo proteína de caja F 3 (FBXO3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_017425	Proteína autoantigénica de espermatozoide 17 (SPA 17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005633	Homólogo de son of sevenless 1 (<i>Drosophila</i>) (SOS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003333	Producto de fusión de proteína ribosómica de resto de A-52 de ubiquitina 1 (UBA52) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019894	Proteasa transmembrana, serina 4 (TMPRSS4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033313	Homólogo de ciclo de división celular 14 CDC14 (<i>S. cerevisiae</i>) A (CDC14A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033312	Homólogo de ciclo de división celular 14 CDC14 (<i>S. cerevisiae</i>) A (CDC14A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003672	Homólogo de ciclo de división celular 14 CDC14 (<i>S. cerevisiae</i>) A (CDC14A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_005786	Antígeno de cáncer de colon definido serológicamente 33 (SDCCAG33) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003618	Proteína cinasa cinasa cinasa cinasa activada por mitógeno 3 (MAP4K3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006577	UDP-GlcNAc:betaGal beta-1,3-N-acetilglucosaminiltransferasa 1 (B3GNT1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_020981	UDP-Gal:betaGlcNAc beta 1,3-galactosiltransferasa, polipéptido 1 (B3GALT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033252	UDP-GlcNAc:betaGal beta-1,3-N-acetilglucosaminiltransferasa 1 (B3GNT1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002954	Proteína ribosómica S27a (RPS27A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000971	Proteína ribosómica L7 (RPL7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033344	Homólogo de egl nueve 3 (<i>C. elegans</i>) (EGLN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024023	Tipo unkempt (<i>Drosophila</i>) (UNKL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_033221	Que contiene motivo tripartito 14 (TRIM14) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_033220	Que contiene motivo tripartito 14 (TRIM14) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033219	Que contiene motivo tripartito 14 (TRIM14) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_014788	Que contiene motivo tripartito 14 (TRIM14) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_006074	Que contiene motivo tripartito 22 (TRIM22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012210	Que contiene motivo tripartito 32 (TRIM32) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007276	Homólogo de cromocaja 3 (homólogo de HPI gamma, <i>Drosophila</i>) (CBX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025227	Proteína hipotética dJ726C3.2 (DJ726C3.2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015271	Que contiene motivo tripartito 2 (TRIM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017838	Familia de proteína nucleolar A, miembro 2 (RNP nucleolares pequeños de H/ACA) (NOLA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032993	Familia de proteína nucleolar A, miembro 1 (RNP nucleolares pequeños de H/ACA) (NOLA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018983	Familia de proteína nucleolar A, miembro 1 (RNP nucleolares pequeños de H/ACA) (NOLA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004722	Complejo proteico relacionado con adaptador 4, subunidad mu 1 (AP4M1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033066	Proteína de membrana, palmitoilada 4 (miembro 4 de la subfamilia MAGUK p55) (MPP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033030	Tipo boule, bol (<i>Drosophila</i>) (BOLL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004216	Dominio que contiene efector muerte (DEDD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032998	Dominio que contiene efector muerte (DEDD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033010	Proteína de unión a poli(rC) 4 (PCBP4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_033009	Proteína de unión a poli(rC) 4 (PCBP4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_033008	Proteína de unión a poli(rC) 4 (PCBP4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_020418	Proteína de unión a poli(rC) 4 (PCBP4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032944	Serina/treonina cinasa 31 (STK31) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_031414	Serina/treonina cinasa 31 (STK31) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_014302	Sec61 gamma (SEC61G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013336	Isoforma 1 de subunidad alfa de proteína SEC61 transportadora de proteína (SEC61A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM 031431	Factor de ligamiento SEC34 (SEC34) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM 015490	Componente de ruta secretora Sec31B-1 (SEC31B-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004892	Tipo proteína SEC22 de tráfico de vesículas 1 (<i>S. cerevisiae</i>) (SEC22L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032970	Proteína de tráfico de vesículas (SEC22C) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000969	Proteína ribosómica L5 (RPL5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005034	Polimerasa (ARN) II (dirigida a ADN) polipéptido K (7,0 kD) (POLR2K) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014459	Protocadherina 17 (PCDH17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032961	Protocadherina 10 (PCDH10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_020815	Protocadherina 10 (PCDH10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_031988	Proteína cinasa cinasa activada por mitógeno 6 (MAP2K6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002758	Proteína cinasa cinasa activada por mitógeno 6 (MAP2K6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032419	Homólogo de dom-3 Z (<i>C. elegans</i>) (DOM3Z) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032966	Receptor de linfoma de Burkitt 1, proteína de unión a GTP (BLR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001716	Receptor de linfoma de Burkitt 1, proteína de unión a GTP (BLR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004951	Virus de Epstein-Barr inducido por gen 2 (receptor acoplado a proteína G específica de linfocito) (EBI2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004874	Atanógeno asociado a BCL2 4 (BAG4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001016	Proteína ribosómica S12 (RPS12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031994	Proteína de dedo anular 17 (RNF17) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito corto, ARNm
NM_031271	Secuencia expresada en testículo 15 (TEX15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018995	Mov1011, 1 tipo virus de la leucemia de Moloney 10, homólogo (ratón) (MOV10L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032510	Homólogo gamma defectuoso en partición 6 par-6 (<i>C. elegans</i>) (PARD6G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006704	Supresor de alelo G2 de SKP1, <i>S. cerevisiae</i> , homólogo de (SGT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031968	Factor de reconocimiento de prelamina nuclear A (NARF) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_012336	Factor de reconocimiento de prelamina nuclear A (NARF) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_003980	Proteína asociada a microtúbulos 7 (MAP7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032380	Factor de elongación G2 (EFG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032214	Adaptador 2 tipo Src (SLA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020064	Tipo BarH 1 (<i>Drosophila</i>) (BARHL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005916	Deficiencia en mantenimiento de minicromosoma 7 MCM7 (<i>S. cerevisiae</i>) (MCM7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004098	Homólogo de espiráculos vacíos 2 (<i>Drosophila</i>) (EMX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005826	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea R (HNRPR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006418	Expresada diferencialmente en linajes hematopoyéticos (GW112) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005016	Proteína de unión a poli(rC) 2 (PCBP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031989	Proteína de unión a poli(rC) 2 (PCBP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_006196	Proteína de unión a poli(rC) 1 (PCBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031844	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea U (factor de unión a armazón A) (HNRPU) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004501	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea U (factor de unión a armazón A) (HNRPU) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004500	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea C (C1/C2) (HNRPC) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_031314	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea C (C1/C2) (HNRPC) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031370	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea D (proteína 1 de unión a ARN de elemento rico en AU, 37 kD) (HNRPD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031369	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea D (proteína 1 de unión a ARN de elemento rico en AU, 37 kD) (HNRPD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002138	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea D (proteína 1 de unión a ARN de elemento rico en AU, 37 kD) (HNRPD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_003903	Homólogo de ciclo de división celular 16 CDC16 (<i>S. cerevisiae</i>) (CDC16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031483	Homólogo E3 de itchy de ubiquitina proteína ligasa (ratón) (ITCH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031907	Proteasa específica de ubiquitina 26 (USP26) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031866	Homólogo de frizzled 8 (<i>Drosophila</i>) (FZD8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000004	Citocromo genómico P450, subfamilia IIIA (nifedipina oxidasa) (CYP3A) en cromosoma 7
NM_001788	Homólogo de ciclo de división celular 10 CDC10 (<i>S. cerevisiae</i>) (CDC10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004276	Proteína de unión a calcio 1 (calbraína) (CABP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_031205	Proteína de unión a calcio 1 (calbraína) (CABP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000784	Citocromo P450, subfamilia XXVIIA (esteroide 27-hidroxilasa, xantomatosis cerebrotendinosa), polipéptido 1 (CYP27A1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_031491	Proteína de unión a retinol 5, celular (RBP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006929	Tipo actividad virucida de superkiller 2 (<i>S. cerevisiae</i>) (SKIV2L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001447	Homólogo de supresor de tumor FAT 2 (<i>Drosophila</i>) (FAT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007242	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) (homólogo de DBP5, levadura) 19 (DDX19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006773	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) (regulado por Myc) 18 (DDX18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030655	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) (homólogo de helicasa tipo 1 CHL1, <i>S. cerevisiae</i>) 11 (DDX11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_030653	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) (homólogo de helicasa tipo 1 CHL1, <i>S. cerevisiae</i>) 11 (DDX11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000770	Citocromo P450, subfamilia EC (mefenitoína 4-hidroxilasa), polipéptido 8 (CYP2C8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Hp1-1, ARNm
NM_030878	Citocromo P450, subfamilia IIC (mefenitoína 4-hidroxilasa), polipéptido 8 (CYP2C8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Hp1-2, ARNm
NM_012239	Homólogo 3 de regulación de información tipo emparejamiento silencioso de sirtuina 2 (<i>S. cerevisiae</i>) (SIRT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030593	Homólogo 2 de regulación de información tipo emparejamiento silencioso de sirtuina 2 (<i>S. cerevisiae</i>) (SIRT2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_012237	Homólogo 2 de regulación de información tipo emparejamiento silencioso de sirtuina 2 (<i>S. cerevisiae</i>) (SIRT2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_012238	Homólogo 1 de regulación de información tipo emparejamiento silencioso de sirtuina 2 (<i>S. cerevisiae</i>) (SIRT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031309	Homólogo de scratch 1, proteína de dedo de cinc (<i>Drosophila</i>) (SCRT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031278	Que contiene dominio de tudor 1 (TDRD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031277	Proteína de dedo anular 17 (RNF17) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito largo, ARNm
NM_031276	Secuencia expresada en testículo 11 (TEX11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031273	Secuencia expresada en testículo 13B (TEX13B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031272	Secuencia expresada en testículo 14 (TEX14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006636	Metilentetrahidrofolato deshidrogenasa (dependiente de NAD ⁺), metilentetrahidrofolato ciclohidrolasa (MTHFD2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_022818	Proteínas 1A/1B asociadas a microtúbulos de cadena ligera 3 (MAP1A/1BLC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018607	Proteína PRO1853 hipotética (PRO1853) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004856	Tipo cinesina 5 (proteína 1 tipo cinesina mitótica (KNSL5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030979	Proteína de unión a poli(A), citoplásmico 3 (PABPC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030770	Proteasa transmembrana, serina 5 (espinesina) (TMPRSS5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002545	Tipo proteína de unión a opioide/molécula de adhesión (OPCML) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014676	Homólogo de pumilio 1 (<i>Drosophila</i>) (PUM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030673	Tipo SEC13 1 (<i>S. cerevisiae</i>) (SEC13L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003342	Enzima conjugadora de ubiquitina E2G 1 (homólogo de UBC7, <i>C. elegans</i>) (UBE2G1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022051	Homólogo de egl nueve 1 (<i>C. elegans</i>) (EGLN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015577	14 inducida por ácido retinoico (RI14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012170	Sólo proteína de caja F 22 (FBXO22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022304	Receptor de histamina H2 (HRH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022333	Tipo proteína de unión a ARN asociada a gránulo citotóxico de TIA1 1 (TIAL1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003252	Tipo proteína de unión a ARN asociada a gránulo citotóxico de TIA1 1 (TIAL1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_017910	Proteína FLJ20628 hipotética (FLJ20628) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012384	Proteína de unión a elemento modulador de glucocorticoide 2 (GMEB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006118	Proteína de unión a HS1 (HAX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022740	Proteína cinasa que interacciona con homeodominio 2 (HIPK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002005	Oncogén de sarcoma de felino (FES) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014757	Tipo mastermind 1 (<i>Drosophila</i>) (MAML1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025136	Atrofia óptica 3 (autosómico recesivo con corea y paraplejia espástica) (OPA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024505	NADPH oxidasa, dominio 5 de unión a calcio de mano EF (NOX5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022362	Tipo MMS19 (homólogo de MET18, <i>S. cerevisiae</i>) (MMS19L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000256	Proteína C de unión a miosina, cardíaca (MYBPC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000276	Síndrome de Lowe oculo-cerebro-renal (OCRL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_001587	Síndrome de Lowe oculo-cerebro-renal (OCRL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_001407	Cadherina, receptor de tipo G de siete dominio de EGF LAG 3 (homólogo de flamingo, <i>Drosophila</i>) (CELSR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001408	Cadherina, receptor de tipo G de siete dominio de EGF LAG 3 (homólogo de flamingo, <i>Drosophila</i>) (CELSR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005735	Homólogo de proteína 1 relacionada con actina ARP1 B, contractina beta (levadura) (ACTR1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012254	Homólogo de acil-CoA sintetasa de cadena muy larga 2 (VLCS-H2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_012331	Metionina sulfóxido reductasa A (MSRA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016596	Histona desacetilasa 7A (HDAC7A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_015401	Histona desacetilasa 7 A (HDAC7A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004082	Dinactina 1 (p150, homólogo de deglued, <i>Drosophila</i>) (DCTN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_023019	Dinactina 1 (p150, homólogo de deglued, <i>Drosophila</i>) (DCTN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002893	Proteína de unión a retinoblastoma 7 (RBBP7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023001	Proteína de unión a retinoblastoma 1 (RBBP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_023000	Proteína de unión a retinoblastoma 1 (RBBP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002892	Proteína de unión a retinoblastoma 1 (RBBP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_024408	Homólogo de Notch 2 (<i>Drosophila</i>) (NOTCH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
N>.4_01231 1	KIN, determinante antigénico de homólogo de proteína recA (ratón) (KIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021938	Tipo bruno 5, proteína de unión a ARN (<i>Drosophila</i>) (BRUNOL5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020180	Tipo bruno 4, proteína de unión a ARN (<i>Drosophila</i>) (BRUNOL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005868	Homólogo de BET1 (<i>S. cerevisiae</i>) (BET1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002467	Homólogo de oncógeno vírico de mielocitomatosis v-myc (aviar) (MYC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022817	Homólogo de period 2 (<i>Drosophila</i>) (PER2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_003894	Homólogo de period 2 (<i>Drosophila</i>) (PER2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_006660	Homólogo de proteasa caseinolítica X de ClpX (<i>E. coli</i>) (CLPX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012394	Prefoldina 2 (PFDN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004234	Homólogo de proteína de dedo de cinc 93 (ratón) (ZFP93) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005870	Polipéptido asociado a sin3, 18 kD (SAP 18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003350	Enzima conjugadora de ubiquitina E2 variante 2 (UBE2V2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022476	Homólogo de dedos de pie fusionados (ratón) (FTS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022444	Familia de transportadores de solutos 13 (simportadores de sodio/sulfato), miembro 1 (SLC13A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018127	Homólogo de elac2 2 (<i>E. coli</i>) (ELAC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014317	Trans-preniltransferasa (TPT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022173	Proteína de unión a ARN asociada a gránulo citotóxico de TIA1 (TIA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_022037	Proteína de unión a ARN asociada a gránulo citotóxico de TIA1(TIA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004973	Homólogo de jumonji (ratón) (JMJ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021971	GDP-manosa pirofosforilasa B (GMPPB) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_013334	GDP-manosa pirofosforilasa B (GMPPB) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_013335	GDP-manosa pirofosforilasa A (GMPPA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021267	Homólogo de seguridad de longevidad LAG1 1 (<i>S. cerevisiae</i>) (LASS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005811	Factor de diferenciación de crecimiento 11 (GDF11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005971	Regulador de transporte iónico que contiene dominio FXD 3 (FXD3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_021910	Regulador de transporte iónico que contiene dominio FXD 3 (FXD3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_022096	Dominio de repetición de anquirina 5 (ANKRD5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022073	Homólogo de egl nueve 3 (<i>C. elegans</i>) (EGLN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022047	Diferencialmente expresada en homólogo de FDCP 6 (ratón) (DEF6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021778	Dominio de disintegrina a y metaloproteínasa 28 (ADAM28) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_021777	Dominio de disintegrina a y metaloproteínasa 28 (ADAM28) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_000152	Glucosidasa, alfa; ácida (enfermedad de Pompe, enfermedad de almacenamiento de glucógeno tipo II) (GAA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002910	Proteína de unión a renina (RENBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012072	Componente del complemento 1, subcomponente q, receptor 1 (CIQR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000534	Segregación postmeiótica de PMS1 aumentada 1 (<i>S. cerevisiae</i>) (PMS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005451	Enigma (proteína de dominio LIM) (ENIGMA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021975	Homólogo de oncogén vírico de reticuloendoteliosis v-rel A, factor nuclear de potenciador de gen de polipéptido ligero kappa en linfocitos B 3, p65 (aviar) (RELA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021958	Caja homeótica tipo H2.0 1 (<i>Drosophila</i>) (HLX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004139	Proteína de unión a lipopolisacárido (LBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005442	Homólogo de eomesodermina (<i>Xenopus laevis</i>) (EOMES) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004187	Homólogo de Smcx, cromosoma X (ratón) (SMCX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003170	Supresor de homólogo de Ty 6 (<i>S. cerevisiae</i>) (SUPT6H) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003062	Homólogo 3 de slit (<i>Drosophila</i>) (SLIT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003068	Homólogo de slug, proteína de dedo de cinc (pollo) (SLUG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021824	Tipo factor 3 que interacciona con NGG1 de NIF3 1 (<i>S. pombe</i>) (NIF3L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021783	Receptor de isoforma de ectodisplasina A2 (XEDAR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004196	Tipo cinasa dependiente de ciclina 1 (cinasa relacionada con CDC2) (CDKL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000535	Segregación postmeiótica de PMS2 aumentada 2 (<i>S. cerevisiae</i>) (PMS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002356	Sustrato de proteína cinasa C rica en alanina miristoilada (MARCKS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021728	Homólogo de ortodenticlo 2 (<i>Drosophila</i>) (OTX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014588	Homólogo de caja homeótica 1 de sistema visual, tipo CHX10 (pez cebra) (VSX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003503	Tipo ciclo de división celular 7 CDC7 1 (<i>S. cerevisiae</i>) (CDC7L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004059	Beta liasa conjugada con cisteína; citoplásmica (glutamina transaminasa K, cineurenina aminotransferasa) (CCBL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020651	Homólogo de pellino 1 (<i>Drosophila</i>) (PELH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018411	Homólogo de hairless (ratón) (HR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014569	Homólogo de proteína de dedo de cinc 95 (ratón) (ZFP95) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012458	Homólogo B de translocasa 13 de membrana mitocondrial interna (levadura) (TIMM13B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000672	Alcohol deshidrogenasa 6 (clase V) (ADH6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003603	Proteína que interacciona con Arg/Ab1 ArgBP2 (ARGBP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_021069	Proteína que interacciona con Arg/Ab1 ArgBP2 (ARGBP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004950	Proteoglucano de dermatán sulfato 3 (DSPG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004701	Ciclina B2 (CCNB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021100	Fijación 1 de nitrógeno NFS1 (<i>S. cerevisiae</i>) (NFS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021255	Homólogo de pellino 2 (<i>Drosophila</i>) (PELI2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021115	Tipo homólogo relacionado con ataque 6 (ratón) (SEZ6L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004756	Tipo homólogo de numb (<i>Drosophila</i>) (NUMBL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004690	LATS, supresor de tumor grande, homólogo 1 (<i>Drosophila</i>) (LATS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000461	Receptor de hormona tiroidea, beta (homólogo 2 de oncogén vírico de leucemia eritroblástica (v-erb-a), aviar) (THRB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021078	Tipo control general de síntesis de aminoácidos 5 GCN5 2 (levadura) (GCN5L2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002877	Tipo RAD51 1 (<i>S. cerevisiae</i>) (RAD51L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001552	Proteína de unión a factor de crecimiento de tipo insulina 4 (IGFBP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002487	Homólogo de necdina (ratón) (NDN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012425	Proteína supresora Ras 1 (RSU1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005618	Tipo delta 1 (<i>Drosophila</i>) (DLL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021038	Tipo muscleblind (<i>Drosophila</i>) (MBNL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014268	Proteína asociada a microtúbulo, familia RP/EB, miembro 2 (MAPRE2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020662	Factor de homeostasis de magnesio tipo MRS2 (<i>S. cerevisiae</i>) (MRS2L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM 020649	Homólogo de cromocaja 8 (homólogo de clase Pc, <i>Drosophila</i>) (CBX8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM 018436	Alantoicasa (ALLC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020528	Proteína de unión a poli(rC) 3 (PCBP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014276	Supresor de proteína de unión recombinante de hairless (<i>Drosophila</i>) (RBPSUHL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019557	Proteína RP1-317E23 hipotética (LOC56181) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020347	Tipo factor de transcripción de cremallera de leucina 1 (LZTFL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005744	Homólogo de ariadne, proteína 1 de unión a enzima conjugadora de ubiquitina E2 (<i>Drosophila</i>) (ARIH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007044	Subunidad A 1 de p60 de katanina (que contiene ATPasa) (KATNA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002688	Tipo peanut 1 (<i>Drosophila</i>) (PNUTL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013384	Homólogo de seguridad de longevidad LAG1 2 (<i>S. cerevisiae</i>) (LASS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020230	Homólogo de peter pan (<i>Drosophila</i>) (PPAN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020182	Transmembrana, ARN inducido por andrógeno de próstata (TMEPAI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020248	Proteína que interacciona con catenina, beta 1 (CTNNBIP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000399	Respuesta a crecimiento temprano 2 (homólogo de Krox-20, <i>Drosophila</i>) (EGR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002965	Proteína de unión a calcio S100 A9 (calgranulina B) (S100A9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002964	Proteína de unión a calcio S100 A8 (calgranulina A) (S100A8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002963	Proteína de unión a calcio S100 A7 (psoriasina 1) (S100A7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014624	Proteína de unión a calcio S100 A6 (calciclina) (S100A6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019554	Proteína de unión a calcio S100 A4 (proteína de calcio, calvasculina, metastasina, homólogo placentario murino) (S100A4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002961	Proteína de unión a calcio S100 A4 (proteína de calcio, calvasculina, metastasina, homólogo placentario murino) (S100A4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_005978	Proteína de unión a calcio S100 A2 (S100A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002537	Antizima 2 de ornitina descarboxilasa (OAZ2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019854	Tipo HMTI hnRNP metiltransferasa 3 (<i>S. cerevisiae</i>) (HRMT1L3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019619	Homólogo defectuoso en partición 3 de par-3 (<i>C. elegans</i>) (PARD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017454	Staufen, proteína de unión a ARN (<i>Drosophila</i>) (STAU) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito T1, ARNm
NM_017453	Staufen, proteína de unión a ARN (<i>Drosophila</i>) (STAU) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito T3, ARNm
NM_017452	Staufen, proteína de unión a ARN (<i>Drosophila</i>) (STAU) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito T2, ARNm
NM_003785	Antígeno G, familia B, 1 (asociada a próstata) (GAGEB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015044	Proteína de unión a ARF que contiene adaptina lobular gamma asociada a golgi 2 (GGA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013365	Proteína de unión a ARF que contiene adaptina lobular gamma asociada a golgi 1 (GGA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm2
NM_004781	Proteína de membrana asociada a vesícula 3 (celubrevina) (VAMP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018685	Anilina, proteína de unión a actina (homólogo de scraps, <i>Drosophila</i>) (ANLN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017927	Mitofusina 1 (MEN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018387	Proteína de unión a ARN perinuclear de espermátida (STRBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018378	Proteína de repetición rica en caja F y leucina 8 (FBXL8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018158	Familia de transportadores de solutos 4 (intercambiador de aniones), miembro 1, proteína adaptadora (SLC4A1AP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018032	Tipo LUC7 (<i>S. cerevisiae</i>) (LUC7L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017575	Marco de lectura abierto 31 del cromosoma 17 (C17orf31) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018696	Homólogo 1 de elaC (<i>E. coli</i>) (ELAC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005781	P21cdc42Hs cinasa activada (ACK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016831	Homólogo de period 3 (<i>Drosophila</i>) (PER3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003387	Proteína que interacciona con proteína de síndrome de Wiskott-Aldrich (WASPIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005993	Chaperona específica de tubulina d (TBCD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003014	Proteína relacionada con frizzled secretada 4 (SFRP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006744	Proteína de unión a retinol 4, plasma (RBP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002899	Proteína de unión a retinol 1, celular (RBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005524	Homólogo hairy (<i>Drosophila</i>) (HRY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005206	Homólogo del oncogén CT10 de virus de sarcoma v-crk (aviar) (CRK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito I, ARNm
NM_016823	Homólogo del oncogén CT10 de virus de sarcoma v-crk (aviar) (CRK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito II, ARNm
NM_016948	Homólogo alfa defectuoso en partición 6 par-6 (<i>C. elegans</i>) (PARD6A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017420	Homólogo de caja homeótica de sine oculis 4 (<i>Drosophila</i>) (SIX4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016932	Homólogo de caja homeótica de sine oculis 2 (<i>Drosophila</i>) (SIX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017415	Tipo kelch 3 (<i>Drosophila</i>) (KLHL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017412	Homólogo de frizzled 3 (<i>Drosophila</i>) (FZD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003400	Exportina 1 (homólogo de CRM1, levadura) (XPO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002889	Respondedor de receptor de ácido retinoico (inducido por tazaroteno) 2 (RARRES2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006064	Proteína de unión a GTP ragB (RAGB) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito RAGBs, ARNm
NM_016656	Proteína de unión a GTP ragB (RAGB) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito RAGBI, ARNm
NM_003857	Receptor de galanina 2 (GALR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016655	Factor de transcripción de proteína de unión a GA, subunidad beta 2 (47 kD) (GABPB2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito gamma, ARNm
NM_002041	Factor de transcripción de proteína de unión a GA, subunidad beta 2 (47 kD) (GABPB2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito gamma, ARNm
NM_016654	Factor de transcripción de proteína de unión a GA, subunidad beta 1 (53 kD) (GABPB1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta, ARNm
NM_005254	Factor de transcripción de proteína de unión a GA, subunidad beta 1 (53 kD) (GABPB1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta, ARNm
NM_015843	Sólo dominio LIM 7 (LMO7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_015842	Sólo dominio LIM 7 (LMO7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002228	Homólogo de oncogén de virus 17 de sarcom av-jun (aviar) (JUN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016178	Antizima de ornitina descarboxilasa 3 (OAZ3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016538	Homólogo 7 de regulación de información de tipo emparejamiento silencioso de sirtuina 2 (<i>S. cerevisiae</i>) (SIRT7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016539	Homólogo 6 de regulación de información de tipo emparejamiento silencioso de sirtuina 2 (<i>S. cerevisiae</i>) (SIRT6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016316	Tipo REV1 (levadura) (REV1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016138	Coenzima COQ7 Q, ubiquinona de homólogo 7 (levadura) (COQ7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016583	Asociada a carcinoma de epitelio de paladar, pulmonar y nasal (PLUNC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015886	Inhibidor de proteasa 15 (PI15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016067	Proteína ribosómica mitocondrial S18C (MRPS18C) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_015946	Homólogo de pelota (<i>Drosophila</i>) (PELO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016397	Tipo TH1 (<i>Drosophila</i>) (THIL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016587	Homólogo de cromocaja 3 (homólogo de HP1 gamma, <i>Drosophila</i>) (CBX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016347	Camello 2 de N-acetiltransferasa putativa (CML2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015727	Receptor de taquiquinina 1 (TACR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito corto, ARNm
NM_001058	Receptor de taquiquinina 1 (TACR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito largo, ARNm
NM_004052	Proteína que interacciona con BCL2/E1B de adenovirus de 19 kD3 (BNIP3) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_014820	Translocasa de homólogo A de membrana mitocondrial externa 70 (levadura) (TOMM70A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014918	Hidrato de carbono (condroitina) sintasa 1 (CHSY1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014707	Histona desacetilasa 9 (HDAC9-PENDING) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_014683	Cinasa tipo unc-51 2 (<i>C. elegans</i>) (ULK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014874	Mitofusina 2 (MFN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014071	Coactivador del receptor nuclear 6 (NCOA6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015700	Proteína que interacciona con HIRA 5 (HIRIP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015685	Proteína de unión a sindecano 2 (sinténina) (SDCBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014263	Tipo YME1 1 (<i>S. cerevisiae</i>) (YME1L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014297	Proteína expresada en tiroides (YF13H12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014393	Staufen, proteína de unión a ARN, homólogo 2 (<i>Drosophila</i>) (STAU2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014403	Sialiltransferasa 7D ((alfa-N-acetilneuraminil-2,3-beta-galactosil-1,3)-N-acetilgalactosaminidaalfa-2,6-sialiltransferasa) (SIAT7D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014465	Familia sulfotransferasa, citosólica, 1B, miembro 1 (SULT1B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014485	Prostaglandina sintasa D2, hematopoyética (PGDS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014303	Homólogo de pescadillo 1, que contiene dominio BRCT (pez cebra) (PES1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014253	Odz, homólogo de odd Oz/diez-m 1 (<i>Drosophila</i>) (ODZ1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014429	Homólogo de microrchidia (ratón) (MORC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006439	Tipo mab-21 2 (C. elegans) (MAB21L2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015322	Homólogo de fem-1 b (C. elegans) (FEM1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014591	Proteína que interacciona con canal Kv 2 (KCNP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004449	Tipo oncogén de virus E26 de eritroblastosis v-ets (aviar) (ERG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014420	Homólogo de dickkopf 4 (Xenopus laevis) (DKK4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014421	Homólogo de dickkopf 2 (Xenopus laevis) (DKK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014325	Coronina, proteína de unión a actina, 1C (CORO1C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014246	Cadherina, receptor de tipo G de siete dominios EGF LAG 1 (homólogo de flamingo, <i>Drosophila</i>) (CELSR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014391	Proteína de repetición de anquirina cardíaca (CARP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014336	Tipo proteína que interacciona con receptor de hidrocarburo de arilo 1 (AIPL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014265	Dominio de disintegrina a y metaloproteínasa 28 (ADAM28) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_014237	Dominio de disintegrina a y metaloproteínasa 18 (ADAM18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005032	Plastina 3 (isoforma T) (PLS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013980	Proteína que interacciona con BCL2/E1B de adenovirus de 19 kD 1 (BNIP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BNIP1-c, ARNm
NM_013979	Proteína que interacciona con BCL2/E1B de adenovirus de 19 kD 1 (BNIP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BNIP1-b, ARNm
NM_013978	Proteína que interacciona con BCL2/E1B de adenovirus de 19 kD 1 (BNIP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BNIP1-a, ARNm
NM_004178	Proteína de unión a ARN de TAR (VIH) 2 (TARBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005915	Deficiencia en mantenimiento de minicromosoma 6 MCM6 (homólogo de MIS5, <i>S. pombe</i>) (<i>S. cerevisiae</i>) (MCM6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002576	Cinasa activada por p21/Cdc42/Rac1 1 (homólogo de STE20, levadura) (PAK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012091	1 específica de ARNt de adenosina desaminasa (ADAT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005358	Sólo dominio LIM 7 (LMO7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013451	Mioferlina, tipo fer-1 3 (C. elegans) (FER1L3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006113	Oncogén vav 3 (VAV3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003869	Carboxilesterasa 2 (intestino, hígado) (CES2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005721	Homólogo de proteína relacionada con actina ARP3 3 (levadura) (ACTR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003325	Homólogo defectuoso en regulación del ciclo celular de histona HIR A (<i>S. cerevisiae</i>) (HIRA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012242	Homólogo de dickkopf 1 (<i>Xenopus laevis</i>) (DKK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012429	Tipo SEC14 2 (<i>S. cerevisiae</i>) (SEC14L2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012190	Formiltetrahidrofolato deshidrogenasa (FTHFD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005069	Homólogo de single-minded 2 (<i>Drosophila</i>) (SIM2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito SIM2, ARNm
NM_009586	Homólogo de single-minded 2 (<i>Drosophila</i>) (SIM2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito SIM2s, ARNm
NM_002610	Piruvato deshidrogenasa cinasa, isoenzima 1 (PDK1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_013374	Proteína que interacciona con muerte celular programada 6 (PDCD6IP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013367	Subunidad de complejo promotor de anafase 4 (APC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002968	Tipo sal 1 (<i>Drosophila</i>) (SALL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002449	Homólogo de caja homeótica msh 2 (<i>Drosophila</i>) (MSX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006739	Deficiente en mantenimiento de minicromosoma 5 MCM5, ciclo de división celular 46 (<i>S. cerevisiae</i>) (MCM5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012460	Translocasa de homólogo de membrana mitocondrial interna 9 (levadura) (TIMM9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012457	Translocasa de homólogo A de membrana mitocondrial interna 13 (levadura) (TIMM13A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012456	Translocasa de homólogo de membrana mitocondrial interna 10 (levadura) (TIMM10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012450	Familia de transportadores de soluto 13 (sin portadores de sodio/sulfato), miembro 4 (SLC13A4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012444	Proteína meiótica unida covalentemente a tipo DSB SPO11 (<i>S. cerevisiae</i>) (SPO11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012240	Homólogo 4 de regulación de información de tipo emparejamiento silencioso de sirtuina 2 (<i>S. cerevisiae</i>) (SIRT4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012387	Peptidil arginina desiminasa, tipo V (PAD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012381	Complejo de reconocimiento de origen, tipo subunidad 3 (levadura) (ORC3L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012225	Proteína de unión a nucleótidos 2 (homólogo de MinD, <i>E. coli</i>) (NUBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012222	Homólogo de mutY (<i>E. coli</i>) (MUTYH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012279	Proteína de dedo de cinc de unión a ARN bicatenario JAZ (JAZ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_012206	Receptor celular de virus de hepatitis A 1 (HAVCR-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012205	3-Hidroxiantranilato 3,4-dioxigenasa (HAAO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012198	Grancalcina, proteína de unión a calcio de mano EF (GCA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012193	Homólogo de frizzled 4 (<i>Drosophila</i>) (FZD4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012192	Homólogo de callo de fractura 1 (rata) (FXC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012076	Homólogo de crumbs 1 (<i>Drosophila</i>) (CRB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012124	Proteína de unión a cinc 1, que contiene dominio rico en cisteína e histidina (CHORD) (CHORDC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012118	Tipo represión de catabolito de carbono 4 CCR4 (<i>S. cerevisiae</i>) (CCRN4L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012117	Homólogo de cromocaja 5 (homólogo de HP1 alfa, <i>Drosophila</i>) (CBX5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012108	Señalización en la dirección 3' de BCR 1 (BRDG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012100	Aspartil aminopeptidasa (DNPEP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012094	Peroxisredoxina 5 (PRDX5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004506	Factor de transcripción de choque térmico 2 (HSF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004423	Dishevelled, homólogo de dsh 3 (<i>Drosophila</i>) (DVL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007374	Homólogo de caja homeótica de sine oculis 6 (<i>Drosophila</i>) (SIX6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007373	Supresor soc-2 de homólogo de transparente (C. elegans) (SHOC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002388	Deficiente en mantenimiento de minicromosoma 3 MCM3 (<i>S. cerevisiae</i>) (MCM3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004873	Atanógeno asociado a BCL2 5 (BAG5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007316	Homólogo de proteína relacionada con agoutí (ratón) (AGRP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003819	Proteína de unión a poli(A), citoplásmica 4 (forma inducible) (PABPC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005737	Tipo factor de ribosilación de ADP7 7 (ARL7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002358	Tipo deficiente en detención mitótica de MAD2 1 (levadura) (MAD2L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007264	Receptor de adrenomedulina (ADMR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006870	Destrina (factor de despolimerización de actina) (DSTN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005476	UDP-N-acetilglucosamina-2-epimerasa/N-acetilmanosamina cinasa (GNE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007309	Homólogo de diaphanous 2 (<i>Drosophila</i>) (DIAPH2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 12C, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001878	Proteína de unión a ácido retinoico celular 2 (CRABP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000489	Síndrome de retraso mental/talasemia alfa ligado a X (homólogo de RAD54, <i>S. cerevisiae</i>) (ATRX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002528	Tipo endonucleasa III de nth 1 (<i>E. coli</i>) (NTHL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004085	Homólogo A de translocasa de membrana mitocondrial interna 8 (levadura) (TIMM8A) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_002310	Receptor de factor inhibidor de leucemia (LIFR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004733	Transportador de acetil-Coenzima A (ACATN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002657	Tipo gen de adenoma pleiomórfico 2 (PLAGL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006724	Proteína cinasa cinasa cinasa activada por mitógeno 4 (MAP3K4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_006882	Mdm2, doble minuto 2 de células 3T3 transformadas, proteína de unión a p53 (ratón) (MDM2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito MDM2e, ARNm
NM_006881	Mdm2, doble minuto 2 de células 3T3 transformadas, proteína de unión a p53 (ratón) (MDM2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito MDM2d, ARNm
NM_006880	Mdm2, doble minuto 2 de células 3T3 transformadas, proteína de unión a p53 (ratón) (MDM2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito MDM2c, ARNm
NM_006879	Mdm2, doble minuto 2 de células 3T3 transformadas, proteína de unión a p53 (ratón) (MDM2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito MDM2b, ARNm
NM_006878	Mdm2, doble minuto 2 de células 3T3 transformadas, proteína de unión a p53 (ratón) (MDM2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito MDM2a, ARNm
NM_003801	Homólogo de proteína 1 de unión a anclaje de GPAA1P (levadura) (GPAA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003193	Chaperona e específica de tubulina (TBCE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002370	Homólogo de mago-nashi, asociado a proliferación (<i>Drosophila</i>) (MAGOH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006341	Tipo deficiente en detención mitótica MAD2 2 (levadura) (MAD2L2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006149	Lectina, que se une a galactósido, soluble, 4 (galectina 4) (LGALS4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003585	Dominios tipo C2 dobles, beta (DOC2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007129	Miembro de la familia de Zic 2 (homólogo de odd-paired, <i>Drosophila</i>) (ZIC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007279	Factor auxiliar de ribonucleoproteína nuclear pequeña U2 (65 kD) (U2AF65) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007194	Homólogo de punto de control CHK2 (<i>S. pombe</i>) (CHEK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007271	Serina/treonina cinasa 38 (STK38) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_007232	Receptor de histamina H3 (HRH3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007278	Proteína asociada a receptor de GABA(A) (GABARAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007197	Homólogo de frizzled 10 (<i>Drosophila</i>) (FZD10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007246	Tipo kelch 2, Mayven (<i>Drosophila</i>) (KLHL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001466	Homólogo de frizzled 2 (<i>Drosophila</i>) (FZD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006482	Cinasa regulada por fosforilación de tirosina (Y) de especificidad dual 2 (DYRK2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003583	Cinasa regulada por fosforilación de tirosina (Y) de especificidad dual 2 (DYRK2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_006484	Cinasa regulada por fosforilación de tirosina (Y) de especificidad dual 1B (DYRK1B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito c, ARNm
NM_006483	Cinasa regulada por fosforilación de tirosina (Y) de especificidad dual 1B (DYRK1B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_001882	Proteína de unión a hormona liberadora de corticotropina (CRHBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005889	Enzima de edición de ARNm de apolipoproteína B, polipéptido catalítico 1 (APOBEC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001644	Enzima de edición de ARNm de apolipoproteína B, polipéptido catalítico 1 (APOBEC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_006936	Supresor SMT3 de homólogo de mif dos 3 1 (levadura) (SMT3H1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006912	Tipo Ric, expresada en muchos tejidos (<i>Drosophila</i>) (RIT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006910	Proteína de unión a retinoblastoma 6 (RBBP6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007068	Supresor de dosificación de DMCI de homólogo de mck1, recombinación homóloga específica de meiosis (levadura) (DMC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007021	Proteína decidual inducida por progesterona (DEPP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007007	Factor específico de escisión y poliadenilación 6, subunidad de 68 kD (CPSF6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006822	Proteína de unión a GTP homóloga a SEC4 de <i>Saccharomyces cerevisiae</i> (SEC4L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006843	Serina deshidratasa (SDS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006746	Tipo peine sexual en tipo midleg 1 (<i>Drosophila</i>) (SCML1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006824	Proteína de unión a EBNA1 2 (EBNA1BP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005922	Proteína cinasa cinasa cinasa activada por mitógeno 4 (MAP3K4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_006807	Homólogo de cromocaja 1 (homólogo de HP1 beta de <i>Drosophila</i>) (CBX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006734	Proteína de unión a potenciador de tipo I del virus de la inmunodeficiencia humana 2 (HIVP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006732	Homólogo de oncogén vírico de osteosarcoma murino FBJ B (FOSB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006729	Homólogo de diaphanous 2 (<i>Drosophila</i>) (DIAPH2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 156, ARNm
NM_006829	2 específica de adiposa (APM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006872	Factor tipo TFIIA-alfa/beta (ALF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006796	Tipo gen 3 de familia de ATPasa AFG3 2 (levadura) (AFG3L2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_006544	Tipo SEC10 1 (<i>S. cerevisiae</i>) (SEC10L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006666	Tipo RuvB 2 (<i>E. coli</i>) (RUVBL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006509	Homólogo de oncogén vírico de reticuloendoteliosis de v-rel B, factor nuclear de potenciador de gen de polipéptido ligero kappa en linfocitos B 3 (aviar) (RELB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006606	Proteína de unión a retinoblastoma 9 (RBBP9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006620	Tipo HBS1 (<i>S. cerevisiae</i>) (HBS1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006561	Proteína de unión a ARN con repetición de triplete CUG 2 (CUGBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006579	Proteína de unión a emopamilo (esterol isomerasa) (EBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006560	Proteína de unión a ARN con repetición de triplete CUG 1 (CUGBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001211	Gemación de BUB1 no inhibida por homólogo beta de bencimidazoles 1 (levadura) (BUB1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006374	Serina/treonina cinasa 25 (homólogo de STE20,levadura) (STK25) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006377	Tipo unc-13 (<i>C. elegans</i>) (UNC13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006357	Enzima conjugadora de ubiquitina E2E 3 (homólogo de UBC4/5, levadura) (UBE2E3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006323	Familia de genes relacionados con SEC24, miembro B (<i>S. cerevisiae</i>) (SEC24B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006364	Homólogo de Sec23 A (<i>S. cerevisiae</i>) (SEC23A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006272	Proteína de unión a calcio S100, beta (neural) (S100B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006271	Proteína de unión a calcio S100 A1 (S100A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006391	Proteína de unión a RAN 7 (RANBP7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006265	Homólogo de RAD21 (<i>S. pombe</i>) (RAD21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006203	Fosfodiesterasa 4D, específica de AMPc (homólogo de dunce de fosfodiesterasa E3, <i>Drosophila</i>) (PDE4D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006202	Fosfodiesterasa 4A, específica de AMPc (homólogo de dunce de fosfodiesterasa E2, <i>Drosophila</i>) (PDE4A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006190	Complejo de reconocimiento de origen, tipo subunidad 2 (levadura) (ORC2L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006181	Tipo netrina 2 (pollo) (NTN2L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006168	Homólogo de factor de transcripción de NK6 A (<i>Drosophila</i>) (NKX6A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006167	Homólogo de factor de transcripción de NK3 A (<i>Drosophila</i>) (NKX3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006159	Tipo NEL 2 (pollo) (NELL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006157	Tipo NEL 1 (Pollo) (NELL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005360	Homólogo de oncogén de fibrosarcoma músculo-aponeurótico v-maf (aviar) (MAF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006306	Tipo mantenimiento estructural de cromosomas 1 SMC1 1 (levadura) (SMC1L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006461	Proteína relacionada con superenrollamiento de uso mitótico (DEEPEST) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006314	Potenciador de conector de tipo KSR (supresor de cinasa de ras de <i>Drosophila</i>) (CNK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006366	Proteína asociada a adenilil-ciclasa 2 (CAP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006444	Tipo mantenimiento estructural de cromosomas 2 SMC2 1 (levadura) (SMC2L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006321	Homólogo de ariadne 2 (<i>Drosophila</i>) (ARIH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006406	Peroxirredoxina 4 (PRDX4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006334	Olfactomedina 1 (OLFM1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004032	D-aspartato oxidasa (DDO) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005985	Homólogo de caracol 1, proteína de dedo de cinc (<i>Drosophila</i>) (SNAI1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006109	Homólogo de SKB1 (<i>S. pombe</i>) (SKB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005982	Homólogo de caja homeótica de sine oculis 1 (<i>Drosophila</i>) (SIX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006089	Tipo peine sexual en midleg 2 (<i>Drosophila</i>) (SCML2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005980	Proteína de unión a calcio S100 P (S100P) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005979	Proteína de unión a calcio S100 A13 (S100A13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005938	Leucemia mieloide/linfoide o de linaje mixto (homólogo de trithorax, <i>Drosophila</i>); translocado a 7 (MLLT7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005937	Leucemia mieloide/linfoide o de linaje mixto (homólogo de trithorax, <i>Drosophila</i>); translocado a 6 (MLLT6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005936	Leucemia mieloide/linfoide o de linaje mixto (homólogo de trithorax, <i>Drosophila</i>); translocado a 4 (MLLT4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005935	Leucemia mieloide/linfoide o de linaje mixto (homólogo de trithorax, <i>Drosophila</i>); translocado a 2 (MLLT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005934	Leucemia mieloide/linfoide o de linaje mixto (homólogo de trithorax, <i>Drosophila</i>); translocado a 1 (MLLT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005933	Leucemia mieloide/linfoide o de linaje mixto (homólogo de trithorax, <i>Drosophila</i>) (MLL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005905	Madres contra homólogo decapentaplégico, MAD, 9 (<i>Drosophila</i>) (MADH9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005904	Madres contra homólogo decapentaplégico, MAD, 7 (<i>Drosophila</i>) (MADH7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005903	Madres contra homólogo decapentaplégico, MAD, 5 (<i>Drosophila</i>) (MADH5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005902	Madres contra homólogo decapentaplégico, MAD, 3 (<i>Drosophila</i>) (MADH3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005901	Madres contra homólogo decapentaplégico, MAD, 2 (<i>Drosophila</i>) (MADH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005900	Madres contra homólogo decapentaplégico, MAD, 1 (<i>Drosophila</i>) (MADH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_006033	Lipasa, endotelial (LIPG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006048	Factor de ubiquitinación E4B (homólogo de UFD2, levadura) (UBE4B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006111	Acetil-Coenzima A aciltransferasa 2 (3-oxoacil-Coenzima A tiolasa mitocondrial) (ACAA2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_006012	Proteasa caseinolítica ClpP, dependiente de ATP, homólogo de subunidad proteolítica (<i>E. coli</i>) (CLPP) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_006110	Proteína de unión a antígeno CD2 2 (cola citoplásmica) (CD2BP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006017	Tipo prominina 1 (ratón) (PROML1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004010	Distrofina (distrofia muscular, tipos Duchenne y Becker), incluye DXS142, DXS164, DXS206, DXS230, DXS239, DXS268, DXS269, DXS270, DXS272 (DMD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dp427p2, ARNm
NM_004023	Distrofina (distrofia muscular, tipos Duchenne y Becker), incluye DXS142, DXS164, DXS206, DXS230, DXS239, DXS268, DXS269, DXS270, DXS272 (DMD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dpl40bc, ARNm
NM_004022	Distrofina (distrofia muscular, tipos Duchenne y Becker), incluye DXS142, DXS164, DXS206, DXS230, DXS239, DXS268, DXS269, DXS270, DXS272 (DMD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito D140ab, ARNm
NM_004021	Distrofina (distrofia muscular, tipos Duchenne y Becker), incluye DXS142, DXS164, DXS206, DXS230, DXS239, DXS268, DXS269, DXS270, DXS272 (DMD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dp 140b, ARNm
NM_004020	Distrofina (distrofia muscular, tipos Duchenne y Becker), incluye DXS142, DXS164, DXS206, DXS230, DXS239, DXS268, DXS269, DXS270, DXS272 (DMD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dp 140c, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004019	Distrofina (distrofia muscular, tipos Duchenne y Becker), incluye DXS142, DXS164, DXS206, DXS230, DXS239, DXS268, DXS269, DXS270, DXS272 (DMD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dp40, ARNm
NM_004018	Distrofina (distrofia muscular, tipos Duchenne y Becker), incluye DXS142, DXS164, DXS206, DXS230, DXS239, DXS268, DXS269, DXS270, DXS272 (DMD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dp71ab, ARNm
NM_004017	Distrofina (distrofia muscular, tipos Duchenne y Becker), incluye DXS142, DXS164, DXS206, DXS230, DXS239, DXS268, DXS269, DXS270, DXS272 (DMD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dp71a, ARNm
NM_004016	Distrofina (distrofia muscular, tipos Duchenne y Becker), incluye DXS142, DXS164, DXS206, DXS230, DXS239, DXS268, DXS269, DXS270, DXS272 (DMD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dp71b, ARNm
NM_004015	Distrofina (distrofia muscular, tipos Duchenne y Becker), incluye DXS142, DXS164, DXS206, DXS230, DXS239, DXS268, DXS269, DXS270, DXS272 (DMD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dp71, ARNm
NM_004014	Distrofina (distrofia muscular, tipos Duchenne y Becker), incluye DXS142, DXS164, DXS206, DXS230, DXS239, DXS268, DXS269, DXS270, DXS272 (DMD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dp116, ARNm
NM_004013	Distrofina (distrofia muscular, tipos Duchenne y Becker), incluye DXS142, DXS164, DXS206, DXS230, DXS239, DXS268, DXS269, DXS270, DXS272 (DMD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dp 140, ARNm
NM_004012	Distrofina (distrofia muscular, tipos Duchenne y Becker), incluye DXS142, DXS164, DXS206, DXS230, DXS239, DXS268, DXS269, DXS270, DXS272 (DMD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dp260-2, ARNm
NM_004011	Distrofina (distrofia muscular, tipos Duchenne y Becker), incluye DXS142, DXS164, DXS206, DXS230, DXS239, DXS268, DXS269, DXS270, DXS272 (DMD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dp260-1, ARNm
NM_004009	Distrofina (distrofia muscular, tipos Duchenne y Becker), incluye DXS142, DXS164, DXS206, DXS230, DXS239, DXS268, DXS269, DXS270, DXS272 (DMD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dp427p1, ARNm
NM_004007	Distrofina (distrofia muscular, tipos Duchenne y Becker), incluye DXS142, DXS164, DXS206, DXS230, DXS239, DXS268, DXS269, DXS270, DXS272 (DMD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dp4271, ARNm
NM_004006	Distrofina (distrofia muscular, tipos Duchenne y Becker), incluye DXS142, DXS164, DXS206, DXS230, DXS239, DXS268, DXS269, DXS270, DXS272 (DMD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dp427m, ARNm
NM_000109	Distrofina (distrofia muscular, tipos Duchenne y Becker), incluye DXS142, DXS164, DXS206, DXS230, DXS239, DXS268, DXS269, DXS270, DXS272 (DMD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dp427c, ARNm
MM_005657	Proteína de unión a proteína tumoral p53, 1 (TP53BP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005632	Homólogo de lóbulos ópticos pequeños (<i>Drosophila</i>) (SOLH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005631	Homólogo de smoothened (<i>Drosophila</i>) (SMOH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005621	Proteína de unión a calcio S100 A12 (calgranulina C) (S100A12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005620	Proteína de unión a calcio S10 A11 0 (calgizzarina) (S100A11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005610	Proteína de unión a retinoblastoma 4 (RBBP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005732	Homólogo de RAD50 (<i>S. cerevisiae</i>) (RAD50) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005591	Homólogo de recombinación meiótica 11 MRE11 (<i>S. cerevisiae</i>) A (MRE11A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005590	Homólogo de recombinación meiótica 11 MRE11 (<i>S. cerevisiae</i>) A (MRE11A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005585	Madres contra homólogo decapentaplégico, MAD, 6 (<i>Drosophila</i>) (MADH6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005584	Tipo mab-21 1 (<i>C. elegans</i>) (MAB21L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005582	Homólogo de antígeno de linfocitos 64, radioprotector 105 kD (ratón) (LY64) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005667	Homólogo de proteína de dedo de cinc 103 (ratón) (ZFP103) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005886	Subunidad B 1 de catanina p80 (que contiene WD40) (KATNB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005860	Tipo folistatina 3 (glucoproteína secretada) (FSTL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005758	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea A3 (HNRPA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005510	Homólogo de dom-3 Z (<i>C. elegans</i>) (DOM3Z) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005766	Proteína de dominio FERM 1, RhoGEF (ARHGEF) y pleckstrina (derivada de condrocitos) (FARP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005722	Homólogo de proteína relacionada con actina ARP2 2 (levadura) (ACTR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005750	Marco de lectura abierto 6 del cromosoma 4 (C4orf6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005170	Tipo complejo achaete-scute 2 (<i>Drosophila</i>) (ASCL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005426	Proteína de unión a proteína tumoral p53, 2 (TP53BP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005486	Tipo diana de myb1 1 (pollo) (TOM1L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005488	Diana de myb1 (Pollo) (TOM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005417	Homólogo de oncogén vírico de sarcoma v-src (Schmidt-Ruppin A-2) (aviar) (SRC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005413	Homólogo de caja homeótica de sine oculis 3 (<i>Drosophila</i>) (SIX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005444	RCD1 requerido para homólogo de diferenciación celular 1 (<i>S. pombe</i>) (RQCD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005378	Oncogén relacionado con virus de mielocitomatosis v-myc, derivado de neuroblastoma (aviar) (MYCN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005377	Homólogo de oncogén vírico de mielocitomatosis v-myc 2 (aviar) (MYCL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005375	Homólogo de oncogén vírico de mieloblastosis v-myb(aviar) (MYB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005359	Madres contra homólogo decapentaplégico, MAD, 4 (<i>Drosophila</i>) (MADH4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005340	Proteína de unión a nucleótido de triada de histidina (HINT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005307	Tipo cinasa receptora acoplada 2 a proteína G (<i>Drosophila</i>) (GPRK2L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005262	Factor de crecimiento, aumentador de regeneración de hígado (homólogo de ERV1, <i>S. cerevisiae</i>) (GFER) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005261	Proteína de unión a GTP expresada en exceso en músculo esquelético (GEM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005257	Proteína de unión a GATA 6 (GATA6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005245	Homólogo de supresor de tumores FAT 1 (<i>Drosophila</i>) (FAT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005244	Homólogo de ojos absent 2 (<i>Drosophila</i>) (EYA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005239	Homólogo de oncogén de virus E26 de eritroblastosis v-ets 2 (aviar) (ETS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005235	Homólogo de oncogén vírico de leucemia eritroblástica ev-erb-a 4 (aviar) (ERBB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005228	Receptor de factor de crecimiento epidérmico (homólogo de oncogén vírico de leucemia eritroblástica (v-erb-b), aviar) (EGFR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005224	Tipo dead ringer 1 (<i>Drosophila</i>) (DRIL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005219	Homólogo de diaphanous 1 (<i>Drosophila</i>) (DIAPH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005207	Tipo de homólogo de oncogén de virus CT10 de sarcoma v-crkl (aviar) (CRKL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005197	Supresor de punto de control 1 (CHES1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005454	Homólogo de cerberus 1, superfamilia de nudo de cisteína (<i>Xenopus laevis</i>) (CER1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005496	Tipo mantenimiento estructural de cromosomas 4 SMC4 1 (levadura) (SMC4L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005169	Caja homeótica aristaless (<i>Drosophila</i>) (ARIX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005078	Potenciador tipo transducina de split 3 (homólogo de E(sp1), <i>Drosophila</i>) (TLE3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005077	Potenciador tipo transducina de split 1 (homólogo de E(sp1), <i>Drosophila</i>) (TLE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005068	Homólogo de single-minded 1 (<i>Drosophila</i>) (SIM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005067	Homólogo de seven in absentia 2 (<i>Drosophila</i>) (SIAH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005138	Homólogo deficiente en citocromo oxidasa SCO 2 (levadura) (SCO2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_005156	Regulador ROD1 de diferenciación 1 (<i>S. pombe</i>) (ROD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005133	Homólogo de RCE1, prenil proteína proteasa (<i>S. cerevisiae</i>) (RCE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005057	Proteína de unión a retinoblastoma 5 (RBBP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005056	Proteína de unión a retinoblastoma 2 (RBBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005053	Homólogo de RAD23 A (<i>S. cerevisiae</i>) (RAD23A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005049	Homólogo de proteína de triptófano periódico PWP2 (levadura) (PWP2H) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005008	Tipo proteína 2 del cromosoma no de histona NHP2 1 (<i>S. cerevisiae</i>) (NHP2L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004997	Proteína de unión a miosina H (MYBPH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004677	Proteína relacionada con XK específica de testículo en Y (XKRY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004788	Factor de ubiquitinación E4A (homólogo de UFD2, levadura) (UBE4A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004617	Miembro de superfamilia 4 transmembrana 4 (TM4SF4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004607	Chaperona a específica de tubulina (TBCA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004602	Proteína de unión a ARN, STAUFEN (<i>Drosophila</i>) (STAU) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito T4, ARNm
NM_004653	Homólogo de Smcy, cromosoma Y (ratón) (SMCY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004787	Homólogo de slit 2 (<i>Drosophila</i>) (SLIT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004593	Factor de corte y empalme, rico en arginina/serina 10 (homólogo de transformador 2, <i>Drosophila</i>) (SFRS10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004206	Proteína de tráfico vesicular (SEC22C) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004657	Respuesta a privación de suero (proteína de unión a fosfatidilserina) (SDPR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004589	Homólogo deficiente en citocromo oxidasa SCO 1 (levadura) (SCO1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_004587	Homólogo de 180 kD de proteína 1 de unión a ribosoma (perro) (RRBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004164	Proteína de unión a retinol 2, celular (RBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004584	Homólogo de RAD9 (<i>S. pombe</i>) (RAD9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004794	RAB33A, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB33A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004813	Factor de biogénesis de peroxisoma 16 (PEX16) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004564	Tipo PET112 (levadura) (PET112L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004643	Proteína de unión a poli(A), nuclear 1 (PABPN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004561	Tipo ovo 1 (<i>Drosophila</i>) (OVOL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004153	Complejo de reconocimiento de origen, tipo subunidad 1 (levadura) (ORC1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004557	Homólogo de Notch 4 (<i>Drosophila</i>) (NOTCH4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004808	N-miristoiltransferasa 2 (NMT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004210	Tipo neuralizada (<i>Drosophila</i>) (NEURL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004147	Proteína de unión a GTP regulada por el desarrollo 1 (DRG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004851	Pronapsina A (NAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004533	Proteína de unión a miosina C, tipo rápido (MYBPC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004529	Leucemia mieloide/linfoide o de linaje mixto (homólogo de trithorax, <i>Drosophila</i>); translocado a 3 (MLLT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004668	Maltasa-glucoamilasa (alfa-glucosidasa) (MGAM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004526	Mitotina deficiente en mantenimiento de minicromosomas 2 MCM2 (<i>S. cerevisiae</i>) (MCM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004829	Homólogo de antígenos 94 de linfocitos, receptor de NK activador; NK-p46, (ratón) (LY94) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004744	Lecitina retinol aciltransferasa (fosfatidilcolina-retinol O-aciltransferasa) (LRAT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004524	Homólogo de larva gigante letal 2 (<i>Drosophila</i>) (LLGL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004140	Homólogo de larva gigante letal 1 (<i>Drosophila</i>) (LLGL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004922	Familia génica relacionada con SEC24, miembro C (<i>S. cerevisiae</i>) (SEC24C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004508	Isopentenil-difosfato delta isomerasa (IDI1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004507	Homólogo de punto de control de HUS1 (<i>S. pombe</i>) (HUS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004262	Proteasa Similar a tripsina de las vías respiratorias (HAT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004752	Homólogo de missing de célula gliales b (<i>Drosophila</i>) (GCMB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004477	Gen de región FSHD 1 (FRG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004463	Displasia faciogenital (síndrome de Aarskog-Scott) (FGD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004106	Fragmento Fc de IgE, I de alta afinidad, receptor para; polipéptido gamma (FCER1G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004456	Potenciador de homólogo de zeste 2 (<i>Drosophila</i>) (EZH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004100	Homólogo de ojos absent 4 (<i>Drosophila</i>) (EYA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004450	Potenciador de homólogo de rudimentary (<i>Drosophila</i>) (ERH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004448	Homólogo de oncogén vírico de leucemia eritoblástica v-erb-b2 2, homólogo de oncogén derivado de neuro/glioblastoma (aviar) (ERBB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004445	EphB6 (EPHB6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004436	Endosulfina alfa (ENSA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004432	Tipo ELAV 2 (letal embrionario, visión anómala, <i>Drosophila</i>) (antígeno B de Hu) (ELAVL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004230	Receptor acoplado a proteína G de esfingolípidos de diferenciación endotelial, 5 (EDG5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004421	Homólogo de dishevelled, dsh 1 (<i>Drosophila</i>) (DVL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004399	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) (homólogo de helicasa Similar a CHL1, <i>S. cerevisiae</i>) 11 (DDX11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004378	Proteína de unión a ácido retinoico celular 1 (CRABP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004898	Homólogo de clock (ratón) (CLOCK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004669	Canal intracelular de cloruro 3 (CLIC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_004066	Centrina, proteína de mano EF, 1 (CETN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004354	Ciclina G2 (CCNG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004352	Precursor de cerebelina 1 (CBLN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004057	Calbindina 3 (proteína de unión a calcio dependiente de vitamina D) (CALB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004338	Marco de lectura abierto 1 del cromosoma 18 (C18orf1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004725	Gemación de BUB3 no inhibida por homólogo de bencimidazoles 3 (levadura) (BUB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004336	Gemación de BUB1 no inhibida por homólogo de bencimidazoles 1 (levadura) (BUB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004331	Tipo proteína 3 que interacciona con BCL2/E1B de adenovirus de 19 kD (BNIP3L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004328	Tipo BCS1 (levadura) (BCS1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004045	Homólogo de proteína 1 antioxidante ATX1 (levadura) (ATOX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004849	Tipo autofagia 5 APG5 (<i>S. cerevisiae</i>) (APG5L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004674	Tipo ash2 (ausente, pequeño u homeótico) (<i>Drosophila</i>) (ASH2L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004316	Tipo complejo de achaete-scute 1 (<i>Drosophila</i>) (ASCL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004707	Tipo autofagia 12 APG12 (<i>S. cerevisiae</i>) (APG12L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004641	Leucemia mieloide/linfoide o de linaje mixto (homólogo de trithorax, <i>Drosophila</i>); translocado a 10 (MLLT10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004301	BAF53 (BAF53A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001129	Proteína de unión a AE 1 (AEBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003656	Proteína cinasa dependiente de calcio/calmodulina 1 (CAMK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000239	Lisozima (amiloidosis renal) (LYZ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000456	Sulfito oxidasa (SUOX) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_000435	Homólogo de Notch 3 (<i>Drosophila</i>) (NOTCH3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000251	Homólogo de mutS 2, cáncer de colon, tipo 1 no poliposis (<i>E. coli</i>) (MSH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000249	Homólogo de mutL 1, cáncer de colon, tipo 2 no poliposis (<i>E. coli</i>) (MLH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000210	Integrina, alfa 6 (ITGA6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001537	Proteína de unión a factor de choque térmico 1 (HSBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001499	Tipo mediador de exportación de ARN GLE1 (levadura) (GLE1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001458	Filamina C, gamma (proteína de unión a actina 280) (FLNC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001444	Proteína de unión a ácidos grasos 5 (asociada a psoriasis) (FABP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001432	Epirregulina (EREG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001388	Proteína de unión a GTP regulada por el desarrollo 2 (DRG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001340	Cilicina, proteína básica de citoesqueleto de cabeza de espermatozoide 2 (CYLC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001326	Factor de estimulación de escisión, pre-ARN de 3', subunidad 3, 77 kD (CSTF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001325	Factor de estimulación de escisión, pre-ARN de 3', subunidad 2, 64 kD (CSTF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001324	Factor de estimulación de escisión, pre-ARN de 3', subunidad 1, 50 kD (CSTF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001255	Homólogo de ciclo de división celular 20 CDC20 (<i>S. cerevisiae</i>) (CDC20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001122	Proteína relacionada con diferenciación adiposa (ADFP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003413	Miembro de la familia Zic heterotaxy 1 3 (homólogo de odd-paired, <i>Drosophila</i>) (ZIC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003412	Miembro de la familia Zic 1 (homólogo de odd-paired, <i>Drosophila</i>) (ZIC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_003408	Homólogo de proteína de dedo de cinc 37 (ratón) (ZFP37) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003409	Homólogo de proteína de dedo de cinc 161 (ratón) (ZFP161) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003680	Tirosil-ARNt sintetasa (YARS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003390	Homólogo de WEE1+ (<i>S. pombe</i>) (WEE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003565	Cinasa tipo unc-51 1 (C. elegans) (ULK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003345	Enzima conjugadora de ubiquitina E21 (homólogo de UBC9, levadura) (UBE21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003344	Enzima conjugadora de ubiquitina E2H (homólogo de UBC8, levadura) (UBE2H) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003343	Enzima conjugadora de ubiquitina E2G 2 (homólogo de UBC7, levadura) (UBE2G2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003340	Enzima conjugadora de ubiquitina E2D 3 (homólogo de UBC4/5, levadura) (UBE2D3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003338	Enzima conjugadora de ubiquitina E2D 1 (homólogo de UBC4/5, levadura) (UBE2D1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003968	Enzima conjugadora de ubiquitina E1C (homólogo de UBA3, levadura) (UBE1C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003320	Homólogo de tubby (ratón) (TUB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003278	Tetranectina (proteína de unión a plasminógeno) (TNA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003260	Potenciador tipo transducina de split 2 (homólogo de E(sp1), <i>Drosophila</i>) (TLE2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003920	Homólogo de timeless (<i>Drosophila</i>) (TIMELESS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003251	Sensible a hormona tiroide (homólogo de SPOT14, rata) (THRSP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003250	Receptor de hormona tiroidea, alfa (homólogo de oncogén vírico de leucemia eritoblástica (v-erb-a), aviar) (THRA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003223	Factor de transcripción AP-4 (proteína 4 de unión a potenciador activador) (TFAP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003222	Factor de transcripción AP-2 gamma (proteína 2 gamma de unión a potenciador activador) (TFAP2C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003221	Factor de transcripción AP-2 gamma (proteína 2 beta de unión a potenciador activador) (TFAP2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003220	Factor de transcripción AP-2 gamma (proteína 2 alfa de unión a potenciador activador) (TFAP2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000458	Factor de transcripción 2, hepático; LF-B3; factor nuclear hepático variante (TCF2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_003181	Homólogo de braquiuria T (ratón) (T) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003173	Homólogo de supresor de abigarramiento 3-9 1 (<i>Drosophila</i>) (SUV39H1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003171	Tipo supresor de var1,3 1 (<i>S. cerevisiae</i>) (SUPV3L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003169	Supresor de homólogo de Ty 5 (<i>S. cerevisiae</i>) (SUPT5H) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003168	Supresor de homólogo de Ty 4 1 (<i>S. cerevisiae</i>) (SUPT4H1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003599	Supresor de homólogo de Ty 3 (<i>S. cerevisiae</i>) (SUPT3H) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003162	Proteína de unión a calmodulina, estriatina (STRN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003134	Partícula de reconocimiento de señal de 14 kD (proteína de unión a ARN Alu homóloga) (SRP14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003088	Tipo singed (homólogo de fascina, erizo de mar) (<i>Drosophila</i>) (SNL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003061	Homólogo de slit 1 (<i>Drosophila</i>) (SLIT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003036	Homólogo de oncogén vírico de sarcoma v-ski (aviar) (SKI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003031	Homólogo de seven in absentia 1 (<i>Drosophila</i>) (SIAH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000193	Homólogo de sonic hedgehog (<i>Drosophila</i>) (SHH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003003	Tipo SEC14 1 (<i>S. cerevisiae</i>) (SEC14L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002983	Citocina inducible pequeña A3 (SCYA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002982	Citocina inducible pequeña A2 (proteína quimiotáctica de monocitos 1) (SCYA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002981	Citocina inducible pequeña A1, I-309 (SCYA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003864	Polipéptido asociado a sin3, 30 kD (SAP30) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002962	Proteína de unión a calcio S100 A5 (S100A5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002960	Proteína de unión a calcio S100 A3 (S100A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002966	Proteína de unión a calcio S100 A10 (ligando de anexina II, calpactina I, polipéptido ligero (P11)) (S100A10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003707	Tipo RuvB 1 (<i>E. coli</i>) (RUVBL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002944	Homólogo de oncogén de virus de sarcoma UR2 v-ros 1 (aviar) (ROS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002941	Homólogo de roundabout, receptor de orientación de axones 1 (<i>Drosophila</i>) (ROBO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000326	Proteína de unión a retinaldehído 1 (RLBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002930	Tipo Ric expresada en neuronas (<i>Drosophila</i>) (RIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003961	Romboide, 1 tipo veinlet (<i>Drosophila</i>) (RHBDL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002912	Subunidad catalítica de ADN polimerasa zeta tipo REV3 (levadura) (REV3L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002900	Proteína de unión a retinol 3, intersticial (RBP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002894	Proteína de unión a retinoblastoma 8 (RBBP8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002888	Respondedor a receptor de ácido retinoico (inducido por tazaroteno) 1 (RARRES1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002879	Homólogo de RAD52 (<i>S. cerevisiae</i>) (RAD52) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002878	Tipo RAD51 3 (<i>S. cerevisiae</i>) (RAD51L3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002875	Homólogo de RAD51 (homólogo de RecA, <i>E. coli</i>) (<i>S. cerevisiae</i>) (RAD51) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002874	Homólogo de RAD23 B (<i>S. cerevisiae</i>) (RAD23B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002853	Homólogo de RAD1 (<i>S. pombe</i>) (RAD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002873	Homólogo de RAD17 (<i>S. pombe</i>) (RAD17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000264	Homólogo de patched (<i>Drosophila</i>) (PTCH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003738	Homólogo de patched 2 (<i>Drosophila</i>) (PTCH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002616	Homólogo de period 1 (<i>Drosophila</i>) (PER1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002600	Fosfodiesterasa 4B, específica de AMPc (homólogo de dunce de fosfodiesterasa E4, <i>Drosophila</i>) (PDE4B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002568	Proteína de unión a poli(A), citoplásmica 1 (PABPC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003932	Supresión de tumorigenicidad 13 (carcinoma de colon) (proteína que interacciona con Hsp70) (ST13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003715	Proteína de acoplamiento de vesículas p115 (P115) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002553	Complejo de reconocimiento de origen, tipo subunidad 5 (levadura) (ORC5L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002552	Complejo de reconocimiento de origen, tipo subunidad 4 (levadura) (ORC4L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003634	Homólogo de nipsnap 1 (<i>C. elegans</i>) (NIPSNAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002499	Homólogo de neogenina 1 (pollo) (NEO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002484	Proteína de unión a nucleótido 1 (homólogo de MinD, <i>E. coli</i>) (NUBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003827	Proteína de unión a factor sensible a N-etilmaleimida, alfa (NAPA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002466	Tipo homólogo de oncogén vírico de mieloblastosis v-myb (aviar) 2 (MYBL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002448	Homólogo de caja homeótica msh 1 (<i>Drosophila</i>) (MSX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003576	Serina/treonina cinasa 24 (homólogo de STE20, levadura) (STK24) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002442	Homólogo de musashi 1 (<i>Drosophila</i>) (MSI1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002441	Homólogo de mutS 5 (<i>E. coli</i>) (MSH5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002440	Homólogo de mutS 4 (<i>E. coli</i>) (MSH4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002439	Homólogo de mutS 3 (<i>E. coli</i>) (MSH3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002405	Homólogo de manic fringe (<i>Drosophila</i>) (MFNG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002402	Homólogo de transcrito específico de mesodermo (ratón) (MEST) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002398	Homólogo de sitio de integración vírico ecotrópico mieloide 1 Meis1 (ratón) (MEIS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002393	Proteína de unión a p53, doble minuto 4 de células 3T3 transformadas, Mdm4, (ratón) (MDM4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002392	Proteína de unión a p53, doble minuto 2 de células 3T3 transformadas, Mdm2, (ratón) (MDM2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito MDM2, ARNm
NM_003906	Proteína asociada a deficiente en mantenimiento de minicromosomas 3 MCM3 (<i>S. cerevisiae</i>) (MCM3AP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002360	Homólogo K de oncogén de fibrosarcoma musculoaponeurótico v-maf (aviar) (MAFK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002359	Homólogo G de oncogén de fibrosarcoma musculoaponeurótico v-maf (aviar) (MAFG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003550	Tipo deficiente en detención mitótica 1 MAD1 (levadura) (MAD1L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003937	Quinureninasa (L-quinurenina hidrolasa) (KYNU) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002269	Carioferina alfa 5 (importina alfa 6) (KPNA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003772	Tipo homólogo de jerky (ratón) (JRKL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002202	Factor de transcripción de ISL1, LIM/homeodominio, (islote-1) (ISL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003604	Sustrato receptor de insulina 4 (IRS4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001570	Cinasa asociada a receptor de interleucina 1 2 (IRAK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003866	Inositol polifosfato-4-fosfatasa, tipo II, 105 kD (INPP4B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001536	Tipo hnRNP metiltransferasa HMT1 2 (<i>S. cerevisiae</i>) (HRMT1L2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001535	Tipo hnRNP metiltransferasa HMT1 1 (<i>S. cerevisiae</i>) (HRMT1L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003806	Haraquiri, proteína que interacciona con BCL2 (contiene solamente dominio BH3) (HRK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002152	Proteína de unión a calcio rica en histidina (HRC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002114	Proteína de unión a potenciador del virus de la inmunodeficiencia humana tipo I 1 (HIVEP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003710	Inhibidor de serina proteasa, tipo Kunitz 1 (SPINT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000179	Homólogo de mutS 6 (<i>E. coli</i>) (MSH6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000839	Receptor de glutamato, metabotrópico 2 (GRM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002077	Autoantígeno del golgi, subfamilia de golgina a, 1 (GOLGA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003878	Gamma-glutamil hidrolasa (conjugasa, folilpoligammaglutamil hidrolasa) (GGH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001488	Tipo adaptador transcripcional 2 (homólogo de ADA2, levadura) (TADA2L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001487	Tipo control general de síntesis de aminoácidos 5 GCN5 1 (levadura) (GCN5L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003643	Homólogo a de missing de células gliales (<i>Drosophila</i>) (GCMA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002052	Proteína de unión a GATA 4 (GATA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002051	Proteína de unión a GATA 3 (GATA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002050	Proteína de unión a GATA 2 (GATA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002049	Proteína de unión a GATA 1 (factor de transcripción de globina 1) (GATA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002040	Factor de transcripción de proteína de unión, subunidad alfa (60 kD) (GABPA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002039	Proteína de unión asociada a GRB2 1 (GAB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003508	Homólogo de frizzled 9 (<i>Drosophila</i>) (FZD9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003507	Homólogo de frizzled 7 (<i>Drosophila</i>) (FZD7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003506	Homólogo de frizzled 6 (<i>Drosophila</i>) (FZD6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003468	Homólogo de frizzled 5 (<i>Drosophila</i>) (FZD5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003505	Homólogo de frizzled 1 (<i>Drosophila</i>) (FZD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001465	Proteína de unión a FYN (FYB-120/130) (FYB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002031	Cinasa relacionada con fyn (FRK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003717	Precursor peptídico de neuropéptido FF-amida (NPFF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001457	Filamina B, beta (proteína de unión a actina 278) (FLNB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001456	Filamina A, alfa (proteína de unión a actina 280) (FLNA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002018	Homólogo de flightless I (<i>Drosophila</i>) (FLII) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001991	Potenciador de homólogo 1 de zeste (<i>Drosophila</i>) (EZH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001990	Homólogo de eyes absent 3 (<i>Drosophila</i>) (EYA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000503	Homólogo de eyes absent 1 (<i>Drosophila</i>) (EYA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001989	Eve, homólogo de caja homeótica de even-skipped 1 (<i>Drosophila</i>) (EVX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001982	Homólogo de oncogén vírico de leucemia eritoblástica v-erb-b2 3 (aviar) (ERBB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003584	Fosfatasa de especificidad dual 11 (que interacciona con el complejo 1 de ARN/RNP) (DUSP11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003859	Polipéptido de dolícil-fosfato manosiltransferasa 1, subunidad catalítica (DPM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001928	Componente D de complemento (adipsina) (DF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003649	D-aspartato oxidasa (DDO) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001343	Homólogo de disabled 2, fosfoproteína sensible a mitógeno (<i>Drosophila</i>) (DAB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001913	Proteína de desplazamiento de CCAAT tipo cut 1 (<i>Drosophila</i>) (CUTL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001316	Tipo segregación del cromosoma 1 CSE1 (levadura) (CSE1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003652	Carboxipeptidasa Z (CPZ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003909	Copina III (CPNE3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003915	Copina I (CPNE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001308	Carboxipeptidasa N, polipéptido 1, 50 kD (CPN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001841	Receptor de cannabinoides 2 (macrófago) (CNR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001280	Proteína de unión a ARN inducible por frío (CIRBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001274	Homólogo de punto de control CHK1 (<i>S. pombe</i>) (CHEK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001806	Proteína de unión a CCAAT/potenciador (C/EBP), gamma (CEBPG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003655	Homólogo de cromocaja 4 (homólogo de clase Pc, <i>Drosophila</i>) (CBX4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001749	Calpaína, subunidad pequeña 1 (CAPNS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000716	Proteína de unión a componente de complemento 4, beta (C4BPB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000715	Proteína de unión a componente de complemento 4, alfa (C4BPA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001726	Bromodominio, específico de testículo (BRDT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001205	Proteína que interacciona con BCL2/E1B de adenovirus de 19 kD 1 (BNIP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BNIP1, ARNm
NM_001714	Homólogo de Bicaudal D 1 (<i>Drosophila</i>) (BICD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003766	Beclina 1 (proteína que interacciona con BCL2 tipo miosina superenrollada) (BECN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003567	Resistencia a anti-estrógenos de cáncer de mama 3 (BCAR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001189	Homólogo de caja homeótica de bagpipe 1 (<i>Drosophila</i>) (BAPX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001698	Proteína de unión a ARN AU/enoil-Co-enzima A hidratasa (AUH) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_001672	Proteína de sensibilización de agoutí, homólogo no de agoutí (ratón) (ASIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001638	Apolipoproteína F (APOF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003977	Proteína que interacciona con receptor de hidrocarburo de arilo (AIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001138	Homólogo de proteína relacionado con agoutí (ratón) (AGRP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_058246	Homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia B, miembro 6 (DNAJB6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025225	Proteína dJ796I17.1 hipotética (DJ796I17.1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058165	Tipo diacilglicerol aciltransferasa 2 (tipo DGAT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001861	Isoforma de subunidad IV de citocromo c oxidasa 1 (COX4I1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
MM_014491	Caja forkhead P2 (FOXP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_054110	UDP-N-acetil-alfa-D-galactosamina:polipéptido N-acetilgalactosaminiltransferasa 7 (GALNT7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006726	Que contiene tráfico de vesículas, beach y anclaje (LRBA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_020663	GTPasa Rho tipo TC10 (TCL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020919	Esclerosis lateral amiotrófica 2 (juvenil) (ALS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052852	Proteína MGC2396 hipotética de dedo de cinc (MGC2396) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053043	Proteína MGC20460 hipotética (MGC20460) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053017	ADP-ribosiltransferasa 5 (ART5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052999	Proteína tipo factor tipo quimiocina CKLFH1 (CKLFH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052881	Proteína dJ734P14.5 hipotética (proteína de dedo de cinc tipo C2H2 novedosa) (MGC20504) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052968	Apolipoproteína A-V (APOA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052960	Proteína de unión a retinoide 7 (RBP7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052959	Panexina 3 (PANX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052948	Nexina de clasificación 26 (SNX26) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052947	Alfa cinasa del corazón (HAK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052946	Proteína MGC20702 hipotética (MGC20702) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052943	Proteína MGC16491 hipotética (MGC16491) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052941	Proteína de unión a guanilato 4 (GBP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052935	Proteína MGC20781 hipotética (MGC20781) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052890	Precursor de proteína de reconocimiento de péptidoglucanos L (PGLYRP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052885	Familia de transportadores de solutos 2 (transportador de glucosa facilitado), miembro 13 (SLC2A13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052884	Lectina tipo Ig de unión a ácido siálico 11 (SIGLEC11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052877	Similar a proteína MNCb-2386 hipotética (MGC17544) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052876	Represor transcripcional NAC1 (NAC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_052873	MGC16028 similar a gen 1700019E19 de ADNc RKEN (MGC16028) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052871	Proteína MGC4677 hipotética (MGC4677) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052870	Nexina de clasificación 18 (SNX18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052859	Proteína transmembrana multidominio de retículo endoplásmico putativa (RFT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052858	Similar a gen 1810006A16 de ADNc de RIKEN (LOC91862) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052855	Proteína MGC15396 hipotética (MGC15396) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052854	Sustancia inducida específicamente por astrocitos antiguos (OASIS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052844	Proteína MGC20486 hipotética (MGC20486) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052839	Panexina 2 (PANX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033551	Proteína MGC19556 hipotética (MGC19556) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033549	Gen MGC1127 hipotética (MGC1127) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033546	Cadena ligera reguladora de miosina (MLC-B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033544	Similar a proteína 1 de unión a ciclina E (H. sapiens) (MGC14386) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033515	Proteína MacGAP (MacGAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033519	Sdolf de receptor olfatorio (sdolf) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033516	Proteína cinasa NYD-SP25 (NYD-SP25) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032231	Proteína FLJ22875 hipotética (FLJ22875) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018437	Proteína EDAG-1 hipotética (EDAG-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033378	Gonadotropina coriónica, polipéptido beta 2 (CGB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033377	Gonadotropina coriónica, polipéptido beta 1 (CGB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033448	Queratina 6 irls (KRT6IRS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033424	Similar a CADENA PESADA DE MIOSINA, ISOFORMA ALFA DE MÚSCULO CARDÍACO (MYHC-ALPHA) (<i>M. musculus</i>) (LOC92771) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033445	Similar a familia de histonas H2A, miembro A (H. sapiens) (MGC3165) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033439	Proteína relacionada con DVS27 (DVS27) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033440	Elastasa 2A (ELA2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033438	Precursor de CD84-H1 (CD84-H1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033423	Similar a granzima B (granzima 2, serina esterasa 1 asociada a linfocitos T citotóxicos) (H. sapiens) (CTLA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033411	Proteína MGC13523 hipotética (MGC13523) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_033416	Similar a PROTEÍNA HIPOTÉTICA DE 34,0 KDA ZK795.3 EN CROMOSOMA IV (MGC19606) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033413	Gen MGC16309 hipotético (MGC16309) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033410	Proteína MGC13138 hipotética (MGC13138) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033419	Gen MGC9753 hipotético (MGC9753) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014083	Proteína PRO0767 (PRO0767) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033043	Gonadotropina coriónica, polipéptido beta 5 (CGB5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031451	Proteína MGC4766 hipotética similar a proteína específica de testículo TES101RP (MGC4766) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033183	Gonadotropina coriónica, polipéptido beta 8 (CGB8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020443	Proteína MGC14961 hipotética (MGC14961) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033343	Proteína de caja homeótica LIM 4 (LHX4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033318	Gen hipotético apoyado por AL449243 (LOC91689) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033328	Proteína de recubrimiento alfa 3 (CAPPA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033315	Proteína tipo ras VTS58635 (VTS58635) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033309	Proteína MGC4655 hipotética (MGC4655) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033296	Proteína de activación de linfocitos T (PGR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033297	Proteína de repeticiones ricas en leucina (RNO2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033280	Similar a complejo de peptidasa señal (18 kD) (LOC90701) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033196	Similar a PROTEÍNA DE DEDO DE ZINC 85 (PROTEÍNA DE DEDO DE ZINC HPF4) (HTF1) (<i>H. sapiens</i>) (LOC91120) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033272	Subunidad de canal de potasio HERG-3 (HERG-3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033261	Difosfato dimetilaryl difosfato isomerasa 2 (IDI2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033254	Hermano de CDO (BOC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033204	Gen DKFZp570I0164 hipotético (DKFZp570I0164) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033259	Proteína inhibidora de CaM-KII (CAM-KIIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032597	NYD-SP21 relacionada con el desarrollo testicular (NYD-SP21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033212	Gen hipotético apoyado por BC004307; BC008285 (MGC10992) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033208	Similar a tipo homólogo a jerky (ratón) (LOC91151) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033195	Tipo lactato deshidrogenasa A (LDHL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015643	Proteína DKFZP434F122 (DKFZP434F122) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032604	Alfa/beta hidrolasa de pulmón 1 (LABH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032133	Proteína DKFZp434N1415 hipotética (DKFZP434N1415) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030803	Proteína FLJ10035 hipotética (FLJ10035) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024062	Proteína MGC5338 hipotética (MGC5338) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024059	Proteína MGC5356 hipotética (MGC5356) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016542	Serina/treonina proteína cinasa MASK (MST4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033127	Proteína relacionada con región promotora del gen de regucalcina (RGPR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033128	Escinderina (SCIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033058	Proteína de dedo anular 29 (RNF29) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033116	Proteína MGC16714 hipotética (MGC16714) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033123	NYD-SP27 relacionada con el desarrollo testicular (NYD-SP27) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033126	Serina/treonina cinasa PSKH2 (PSKH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033124	Proteína NYD-SP28 (NYD-SP28) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033122	Proteína de desarrollo testicular NYD-SP26 (NYD-SP26) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033114	Proteína MADP-1 (MADP-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033083	Proteína EAF1 (EAF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033087	Proteína FLJ14511 hipotética (FLJ14511) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024512	Que contiene repeticiones ricas en leucina 2 (LRRC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006029	Antígeno paraneoplásico MA1 (PNMA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033025	Proteína FLJ13511 hipotética (7h3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015169	Homólogo de proteína RRS1 reguladora de biogénesis de ribosoma de levadura (RRS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015129	Septina 6 (SEP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032838	Proteína FLJ14779 hipotética (FLJ14779) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032206	Proteína FLJ21709 hipotética (FLJ21709) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032797	Proteína FLJ14497 hipotética (FLJ14497) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032472	Tipo peptidilprolil isomerasa (ciclofilina) 3 (PPIL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032936	DC32 (DC32) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032577	Tipo proteoglucano de condroitín sulfato asociado con melanoma (LOC84664) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032933	Proteína MGC11386 hipotética (MGC11386) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032929	Proteína MGC14793 hipotética (MGC14793) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032928	Proteína MGC14141 hipotética (MGC14141) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032927	Proteína MGC13159 hipotética (MGC13159) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032926	Proteína MGC15737 hipotética (MGC15737) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032921	Proteína MGC15875 hipotética (MGC15875) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032909	Proteína MGC14139 hipotética (MGC14139) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032908	Proteína MGC14407 hipotética (MGC14407) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032906	Proteína MGC14156 hipotética (MGC14156) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032905	Proteína MGC14439 hipotética (MGC14439) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032903	Proteína MGC14425 hipotética (MGC14425) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032902	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora (inhibidora) 16A (PPP1R16A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032901	Proteína MGC14288 hipotética (MGC14288) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032899	Proteína MGC14128 hipotética (MGC14128) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032898	Proteína MGC14126 hipotética (MGC14126) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032897	Proteína MGC14436 hipotética (MGC14436) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032896	Proteína MGC14388 hipotética (MGC14388) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032892	Proteína MGC14161 hipotética (MGC14161) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032891	Proteína MGC12928 hipotética (MGC12928) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032890	Proteína MGC13130 hipotética (MGC13130) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032887	Proteína MGC16037 hipotética (MGC16037) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032885	Proteína MGC15906 hipotética (MGC15906) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032882	Proteína MGC15827 hipotética (MGC15827) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032881	Proteína LSM10 tipo Sm específica de snRNP U7 (LSM10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032880	Proteína MGC15730 hipotética (MGC15730) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032878	Proteína MGC15677 hipotética (MGC15677) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032873	Proteína MGC15437 hipotética (MGC15437) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032867	Proteína FLJ14966 hipotética (FLJ14966) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032865	Proteína FLJ14950 hipotética (FLJ14950) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032861	Proteína FLJ14917 hipotética (FLJ14917) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032859	Proteína FLJ14906 hipotética (FLJ14906) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_032856	Proteína FLJ14888 hipotética (FLJ14888) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032855	Proteína hematopoyética SH2 (HSH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032854	Proteína FLJ14871 hipotética (FLJ14871) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032850	Proteína FLJ14840 hipotética (FLJ14840) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032849	Proteína FLJ14834 hipotética (FLJ14834) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032847	Proteína FLJ14825 hipotética (FLJ14825) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032846	Proteína FLJ14824 hipotética (FLJ14824) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032844	Proteína FLJ14813 hipotética (FLJ14813) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032843	Proteína FLJ14810 hipotética (FLJ14810) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032842	Proteína FLJ14803 hipotética (FLJ14803) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032840	Proteína FLJ14800 hipotética (FLJ14800) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032839	Proteína FLJ14784 hipotética (FLJ14784) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032837	Proteína FLJ14775 hipotética (FLJ14775) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032836	Proteína FLJ14768 hipotética (FLJ14768) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032834	Proteína FLJ14751 hipotética (FLJ14751) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032833	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora (inhibidora) 15B (PPP1R15B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032832	Proteína FLJ14735 hipotética (FLJ14735) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032831	Proteína que interacciona con el complejo proteico de unión a CAP 2 (CBCIP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032830	Proteína FLJ14728 hipotética (FLJ14728) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032829	Proteína FLJ 14721 hipotética (FLJ 14721) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032828	Ubiquitina UBF-fl (UBF-fl) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032827	Proteína FLJ14708 hipotética (FLJ14708) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032826	Proteína FLJ14697 hipotética (FLJ 14697) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032825	Proteína FLJ14686 hipotética (FLJ14686) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032821	Proteína FLJ14665 hipotética (FLJ14665) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032817	Proteína FLJ14641 hipotética (FLJ14641) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032816	Proteína FLJ14640 hipotética (FLJ14640) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032814	Proteína FLJ14627 hipotética (FLJ14627) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032811	Proteína FLJ14621 hipotética (FLJ14621) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032810	Proteína FLJ14600 hipotética (FLJ14600) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032809	Proteína FLJ14596 hipotética (FLJ14596) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032808	Proteína FLJ145 94 hipotética (FLJ14594) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032807	Proteína FLJ14590 hipotética (FLJ14590) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032806	Proteína FLJ14566 hipotética (FLJ14566) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032805	Proteína FLJ14549 hipotética (FLJ14549) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032802	Proteína FLJ14540 hipotética (FLJ14540) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032799	Proteína FLJ14524 hipotética (FLJ14524) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032796	Reservada (SYAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032792	Proteína FLJ14486 hipotética (FLJ14486) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032790	Proteína FLJ14466 hipotética (FLJ14466) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032788	Proteína FLJ14457 hipotética (FLJ14457) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032787	Proteína FLJ14454 hipotética (FLJ14454) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032786	Proteína FLJ14451 hipotética (FLJ14451) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032785	Proteína FLJ14442 hipotética (FLJ14442) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032781	Proteína FLJ14427 hipotética (FLJ14427) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032780	Proteína FLJ14399 hipotética (FLJ14399) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032779	Proteína FLJ14397 hipotética (FLJ14397) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032778	Proteína FLJ14393 hipotética (FLJ14393) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032775	Proteína FLJ14360 hipotética (FLJ14360) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032773	Proteína MGC4126 hipotética (MGC4126) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032772	Proteína MGC2555 hipotética (MGC2555) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_032771	Proteína MGC12217 hipotética (MGC12217) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032770	Proteína MGC16291 hipotética (MGC16291) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032765	Proteína MGC16175 hipotética (MGC16175) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032764	Proteína MGC16153 hipotética (MGC16153) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032762	Proteína MGC16121 hipotética (MGC16121) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032761	Proteína MGC16075 hipotética (MGC16075) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032759	Proteína FLJ11328 hipotética (FLJ11328) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032758	Proteína MGC1346 hipotética (MGC1346) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032757	Proteína MGC15705 hipotética (MGC15705) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032755	Proteína MGC15634 hipotética (MGC15634) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032751	Proteína MGC15504 hipotética (MGC15504) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032750	Proteína MGC15429 hipotética (MGC15429) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032747	Proteína MGC14697 hipotética (MGC14697) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032746	Proteína MGC12538 hipotética (MGC12538) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032740	Proteína MGC5391 hipotética (MGC5391) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032739	Proteína MGC5370 hipotética (MGC5370) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032735	Proteína MGC13168 hipotética (MGC13168) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032733	Proteína MGC12679 hipotética (MGC12679) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032732	Proteína MGC10763 hipotética (MGC10763) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032731	Proteína MGC14353 hipotética (MGC14353) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032730	Proteína mitocondrial que interacciona con NOGO (NIMP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032727	Proteína de filamento intermedio neuronal de internexina, alfa (INA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032726	Proteína MGC12837 hipotética (MGC12837) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032725	Proteína MGC13125 hipotética (MGC13125) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032724	Proteína MGC13269 hipotética (MGC13269) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032722	Proteína MGC13275 hipotética (MGC13275) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032721	Proteína MGC11314 hipotética (MGC11314) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032718	Proteína MGC11332 hipotética (MGC11332) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032717	Proteína MGC11324 hipotética (MGC11324) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032714	Proteína MGC13251 hipotética (MGC13251) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032710	Proteína MGC13053 hipotética (MGC13053) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032709	Proteína MGC13047 hipotética (MGC13047) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032701	Proteína MGC2705 hipotética (MGC2705) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032691	Proteína MGC11082 hipotética (MGC11082) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032690	Proteína MGC13198 hipotética (MGC13198) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032687	Proteína MGC13010 hipotética (MGC13010) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032683	Proteína MGC12972 hipotética (MGC12972) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032680	Proteína MGC4266 hipotética (MGC4266) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032679	Proteína MGC4400 hipotética (MGC4400) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032676	Proteína MGC10955 hipotética (MGC10955) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032673	Proteína MGC10882 hipotética (MGC10882) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032671	Proteína MGC10814 hipotética (MGC10814) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032664	Proteína MGC11141 hipotética (MGC11141) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032663	Proteína MGC10702 hipotética (MGC10702) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032658	Proteína MGC10701 hipotética (MGC10701) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032654	Proteína MGC10981 hipotética (MGC10981) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032653	Proteína MGC10960 hipotética (MGC10960) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032648	Proteína MGC10820 hipotética (MGC10820) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032647	Proteína MGC10561 hipotética (MGC10561) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032644	Proteína MGC2452 hipotética (MGC2452) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032641	Proteína MGC2519 hipotética (MGC2519) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032638	Proteína MGC2306 hipotética (MGC2306) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032633	Proteína MGC5457 hipotética (MGC5457) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_032632	Proteína MGC5378 hipotética (MGC5378) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032630	Proteína que interacciona con cinasa dependiente de ciclina de HeLa 2 (CINP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032627	Proteína MGC3181 hipotética (MGC3181) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032626	Proteína hipotética de cerebro my038 (MY038) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032624	Proteína hipotética de cerebro my050 (MY050) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032623	Proteína ácida específica de ovario (OSAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032622	Proteína que contiene multi-dominio-PDZ (LNX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032620	Proteína de unión a GTP mitocondrial (GTPBG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018622	Proteína tipo romboide asociada con presenilinas (PARL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032498	Proteína de caja homeótica de AL590526 (LOC84528) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032600	NYD-SP17 relacionada con el desarrollo testicular (NYD-SP17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032599	NYD-SP18 relacionada con el desarrollo testicular (NYD-SP18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032594	Proteína asociada con insulinoma IA-6 (INSM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032585	Transcrito específico de testículo, ligado a Y (TTY6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032575	Proteína GLIS2 de dedo de cinc tipo Kruppel (GLIS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032573	Proteína TSP-NY específica de testículo (TSP-NY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032572	Ribonucleasa 7 (RNASA7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032568	Tipo proteína asociada a receptores de GABA(A) 3 (GABARAPL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032567	Proteína NYD-TSP1 específica de testículo (NYD-TSP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032566	Gen relacionado con cáncer de esófago 2 (ECG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032562	Fosfolipasa A2 secretada por grupo XIII (PLA2G13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032547	Proteína superenrollada corta (HRIHFB2072) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032546	Proteína de dedo anular 30 (RNF30) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032519	Proteína HT023 hipotética (HT023) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032513	Proteína MGC11303 similar a transportador 2 de cinc (MGC11303) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032490	Proteína PNAS-127 (PNAS-127) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032488	Proteína relacionada con psoriasis (LOC84518) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032471	Inhibidor beta de proteína cinasa (dependiente de AMPc, catalítica) (PKIB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032292	Proteína FLJ20203 hipotética (FLJ20203) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032263	Proteína DKFZp434B227 hipotética (DKFZp434B227) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015178	Proteína KIAA0717 (KIAA0717) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032410	Proteína hook3 (HOOK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032108	Dominio sema, dominio transmembrana (TM) y dominio citoplásmico, (semaforina) 6B (SEMA6B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015636	Proteína DKFZP586J0119 (DKFZP586J0119) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015701	Proteína hipotética (CL25084) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015224	Proteína KIAA1105 (RAP140) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032390	Proteína nucleolar que interacciona con el dominio FHA de pKi-67 (NIFK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032388	Proteína relacionada con carcinoma nasofaríngeo (NPCR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032383	Síndrome de Hermansky-Pudlak 3 (HPS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032378	Proteína FLJ20897 hipotética (FLJ20897) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032376	Proteína MGC4251 hipotética (MGC4251) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032375	Proteína MGC2865 hipotética (MGC2865) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032373	Proteína MGC16202 hipotética (MGC16202) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032370	Proteína MGC15716 hipotética (MGC15716) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032369	Proteína MGC15619 hipotética (MGC15619) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032368	Proteína MGC15436 hipotética (MGC15436) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032374	Proteína MGC2562 hipotética (MGC2562) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032364	Proteína MGC14726 hipotética (MGC14726) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032362	Proteína HEIL1 (HEIL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032361	Proteína MGC5469 hipotética (MGC5469) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032360	Proteína MGC2404 hipotética (MGC2404) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032359	Proteína MGC4308 hipotética (MGC4308) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032358	Proteína MGC13183 hipotética (MGC13183) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032357	Proteína MGC12981 hipotética (MGC12981) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032356	Proteína MGC14151 hipotética (MGC14151) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032355	Proteína MGC13272 hipotética (MGC13272) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032352	Proteína MGC11296 hipotética (MGC11296) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032350	Proteína MGC11257 hipotética (MGC11257) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032349	Proteína MGC11275 hipotética (MGC11275) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032348	Proteína MGC3047 hipotética (MGC3047) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032346	Proteína MGC13096 hipotética (MGC13096) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032345	Proteína MGC13064 hipotética (MGC13064) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032343	Proteína MGC13016 hipotética (MGC13016) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032341	Proteína MGC14844 hipotética (MGC14844) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032339	Proteína MGC14832 hipotética (MGC14832) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032336	Proteína MGC14799 hipotética (MGC14799) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032334	Proteína MGC14595 hipotética (MGC14595) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032332	Proteína MGC4238 hipotética (MGC4238) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032331	Proteína MGC2408 hipotética (MGC2408) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032328	Proteína MGC12458 hipotética (MGC12458) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032322	Proteína MGC13061 hipotética (MGC13061) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032321	Proteína MGC13057 hipotética (MGC13057) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032319	Marco de lectura abierto 7 del cromosoma 2 (C2orf7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032315	Proteína MGC4399 hipotética (MGC4399) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032314	Proteína MGC4767 hipotética (MGC4767) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032313	Proteína MGC3232 hipotética (MGC3232) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032312	Proteína MGC11061 hipotética (MGC11061) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032310	Proteína MGC11115 hipotética (MGC11115) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032307	Proteína MGC10999 hipotética (MGC10999) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032303	Proteína MGC10940 hipotética (MGC10940) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032302	Proteína MGC10911 hipotética (MGC10911) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032301	Proteína MGC10870 hipotética (MGC10870) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032300	Proteína MGC10854 hipotética (MGC10854) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032298	Proteína DKFZp761O132 hipotética (DKFZp761O132) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032297	Proteína DKFZp761D112 hipotética (DKFZp761D112) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032296	Proteína DKFZp761A132 hipotética (DKFZp761A132) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032295	Proteína DKFZp761N0624 hipotética (DKFZp761N0624) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032294	Proteína DKFZp761M0423 hipotética (DKFZp761M0423) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032289	Proteína DKFZp761B0514 hipotética (DKFZp761B0514) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032287	Proteína DKFZp761O17121 hipotética (DKFZp761O17121) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032280	Proteína DKFZp761J139 hipotética (DKFZp761J139) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032278	Proteína DKFZp547P082 hipotética (DKFZp547P082) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032274	Proteína DKFZp547F072 hipotética (DKFZp547F072) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032271	Proteína DKFZp586I021 hipotética (DKFZp586I021) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032270	Proteína DKFZp586J1119 hipotética (DKFZp586J1119) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032269	Proteína DKFZp434I099 hipotética (DKFZp434I099) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032266	Proteína DKPZp434G118 hipotética (DKFZp434G118) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032265	Proteína DKFZp434N127 hipotética (DKFZp434N127) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032262	Proteína DKFZp434N035 hipotética (DKFZp434N035) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032257	Proteína DKFZp434N2435 hipotética (DKFZp434N2435) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032256	Proteína DKFZp434K2435 hipotética (DKFZp434K2435) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032255	Proteína DKFZp434I1930 hipotética (DKFZp434I1930) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032254	Proteína DKFZp434F142 hipotética (DKFZp434F142) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032247	Proteína DKFZp434E0519 hipotética (DKFZp434E0519) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032242	Proteína DKFZp564A176 hipotética (DKFZp564A176) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032238	Proteína FLJ23416 hipotética (FLJ23416) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032235	Proteína FLJ23138 hipotética (FLJ23138) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032234	Proteína FLJ23059 hipotética (FLJ23059) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032233	Proteína FLJ23027 hipotética (FLJ23027) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032229	Proteína FLJ22774 hipotética (FLJ22774) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032221	Proteína FLJ22369 hipotética (FLJ22369) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032213	Proteína FLJ21977 hipotética (FLJ21977) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032212	Similar a ARN polimerasa I dirigida por ADN (135 kDa) (Rpo1-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032207	Proteína FLJ21742 hipotética (FLJ21742) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032205	Proteína FLJ21615 hipotética (FLJ21615) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032196	Proteína KIAA1259 hipotética (KIAA1259) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032192	Proteína FLJ20940 hipotética (FLJ20940) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032191	Proteína FLJ14326 hipotética (FLJ14326) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032187	Proteína FLJ14026 hipotética (FLJ14026) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032186	Proteína FLJ13964 hipotética (FLJ13964) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032181	Proteína FLJ13391 hipotética (FLJ13391) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032179	Proteína FLJ20542 hipotética (FLJ20542) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032178	Proteína FLJ13291 hipotética (FLJ13291) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032175	Proteína FLJ12787 hipotética (FLJ12787) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032174	Proteína FLJ12770 hipotética (FLJ12770) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032169	Proteína FLJ12592 hipotética (FLJ12592) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032164	Proteína FLJ12298 hipotética (FLJ12298) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032162	Proteína FLJ11952 hipotética (FLJ11952) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032155	Proteína DKFZp547I094 hipotética (DKFZp547I094) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032152	Proteína PRAM-1 (PRAM-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032149	Proteína DKFZp434G072 hipotética (DKFZP434G072) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032147	Proteína DKFZp434D0127 hipotética (DKFZP434D0127) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032146	Proteína DKFZp434L1123 hipotética similar a Arl6 de ratón (DKFZP434L1123) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032143	Proteína DKFZp434B1727 hipotética (DKFZP434B1727) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032142	Proteína FLJ10352 hipotética (FLJ10352) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032141	Proteína hipotética DKFZp434K1421 (DKFZP434K1421) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032140	Proteína DKFZp434A1319 hipotética (DKFZP434A1319) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032135	Proteína DKFZp434F1017 hipotética (DKFZP434F1017) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032134	Proteína DKFZp434P0316 hipotética (DKFZP434P0316) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032131	Proteína DKFZp434P0714 hipotética (DKFZP434P0714) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032130	Proteína DKFZp434J0113 hipotética (DKFZP434J0113) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032129	Proteína DKFZp434H2010 hipotética (DKFZP434H2010) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032128	Proteína DKFZp566M114 hipotética (DKFZP566M114) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032127	Proteína DKFZp566M1046 hipotética (DKFZP566M1046) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032126	Proteína DKFZp564J047 hipotética (DKFZP564J047) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032124	Proteína DKFZp564D1378 hipotética (DKFZP564D1378) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032121	Proteína DKFZp564K142 hipotética similar a proteína asociada con implantación (DKFZp564K142) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032118	Proteína FLJ12953 hipotética similar a D3Mm3e de <i>Mus musculus</i> (FLJ12953) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032117	Proteína GAJ (GAJ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032116	Proteína MGC2599 hipotética similar a katanina p60 subunidad A 12599 (MGC2599) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032112	Proteína ribosómica mitocondrial L43 (MRPL43) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020898	Proteína KIAA1536 (KIAA1536) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020726	Neurolisina (familia de metalopeptidasa M3) (NLN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020707	Proteína KIAA1173 (KIAA1173) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018670	Proteína hipotética (IR1899308) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018385	Proteína FLJ11301 hipotética (FLJ11301) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018064	Proteína FLJ10342 hipotética (FLJ10342) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017607	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora (inhibidora) 12C (PPP1R12C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015645	Proteína DKFZP586B0621 (CTRP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015528	Proteína DKFZP566H073 (DKFZP566H073) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015512	Proteína DKFZP434A236 (DKFZP434A236) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015426	Proteína DKFZP434C245 (DKFZP434C245) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015292	Proteína KIAA0747 (KIAA0747) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015236	Proteína KIAA0768 (LEC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015196	Proteína KJAA0922 (KIAA0922) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015112	Proteína KIAA0807 (MAST205) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_015070	Proteína KIAA0853 (KIAA0853) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032308	Proteína MGC4189 hipotética (MGC4189) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004801	Neurexina 1 (NRXN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001221	Proteína cinasa dependiente de calcio/calmodulina (CaM cinasa) II delta (CAMK2D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015208	Proteína KIAA0874 (KIAA0874) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032043	Proteína 1 que interacciona con BRCA1 (BRIP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032040	Proteína DKFZp564K0322 hipotética (DKFZP564K0322) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032037	Serina/treonina proteína cinasa SSTK (SSTK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032033	FKSG43 (FKSG43) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032032	FKSG42 (FKSG42) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032031	FKSG17 (FKSG17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032029	Proteína FKSG87 (FKSG87) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032026	Proteína CDA11 (CDA11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032024	Proteína CDA017 (CDA017) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032023	Proteína AD037 (AD037) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032022	Proteína AD036 (AD036) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031956	Proteína NYD-SP14 (NYD-SP14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031954	Proteína MSTP028 (MSTP028) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031953	Proteína MSTP043 (MSTP043) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031936	Receptor 61 acoplado a proteína G (GPR61) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031934	RAB34, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB34) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031933	Familia de sitio de integración de MMTV tipo wingless, miembro 8A (WNT8A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031932	Transcrito de testículo Y 14 (TTY14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031931	Transcrito de testículo Y 13 (TTY13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031930	Transcrito de testículo Y 12 (TTY12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031929	Transcrito de testículo Y 11 (TTY11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031927	Transcrito de testículo Y 9 (TTY9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031926	Transcrito de testículo Y 7 (TTY7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031925	Proteína transmembrana inducida por factor de necrosis tumoral alfa (TMPIT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_031924	Proteína de rayos radiales 3 (RSP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031917	Proteína relacionada con angiopoyetina 5 (ARP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031948	Marapsina (MPN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031908	Proteína relacionada con factor de necrosis tumoral de complemento-c1q 2 (CTRP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031905	Proteína MGC3195 hipotética (MGC3195) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031889	Enamelina (ENAM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022447	Proteína de función relacionada con topoisomerasa 4-2 (TRF4-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031485	Proteína GRWD de repetición WD rica en glutamato (GRWD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031484	Proteína MGC4415 hipotética (MGC4415) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031479	Proteína MGC4638 hipotética (MGC4638) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031474	Proteína DKFZp761G1913 hipotética (DKFZP761G1913) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031466	Proteína KIAA1882 hipotética (MGC4737) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031465	Proteína MGC13204 hipotética (MGC13204) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031464	Proteína MGC11287 hipotética similar a proteína ribosómica S6 cinasa (MGC11287) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031459	Sestrina 2 (SES2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031455	Proteína DKFZp761F241 hipotética (DKFZP761F241) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031453	Proteína MGC11034 hipotética (MGC11034) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031452	Proteína MGC2560 hipotética (MGC2560) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031449	Proteína KIAA1886 (DKFZP761I2123) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031447	Proteína MGC13033 hipotética (MGC13033) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031446	Proteína PNAS-131 hipotética (PNAS-131) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031437	Proteína MGC10823 hipotética (MGC10823) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031436	Proteína MGC10612 hipotética (MGC10612) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031435	Proteína DKFZp564I0422 hipotética (DKFZP564I0422) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031430	Proteína lisosómica que interacciona con rab (RILP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031425	Proteína MGC10812 hipotética (MGC10812) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031423	Proteína NUF2R hipotética (NUF2R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031421	Proteína DKFZp434H0115 hipotética (DKFZP434H0115) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031412	Tipo proteína asociada con receptor de GABA(A) 1 (GABARAPL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004637	RAB7, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031283	Factor de transcripción TCF-3 de caja HMG (TCF-3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031307	Proteína FKSG32 hipotética (FKSG32) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031305	Proteína DKFZp564B1162 hipotética (DKFZP564B1162) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031301	Proteína DKFZp564D0372 hipotética (DKFZP564D0372) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031298	Proteína MGC2963 hipotética (MGC2963) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031293	Proteína DKFZp434G131 hipotética (DKFZP434G131) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031292	Proteína DKFZp434G1415 hipotética (DKFZP434G1415) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031288	Proteína de unión a PAP-1 (PAPA-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031284	Proteína DKFZp434B195 hipotética (DKFZP434B195) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030972	Proteína MGC5384 hipotética (MGC5384) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030901	Receptor olfatorio, familia 7, subfamilia A, miembro 17 (OR7A17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017990	Proteína FLJ10079 hipotética (FLJ10079) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031219	Proteína MGC12904 hipotética (MGC12904) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031218	Proteína FLJ12488 hipotética (FLJ12488) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031214	Proteína AF311304 hipotética (AF311304) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031210	Proteína DC50 hipotética (DC50) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031207	Proteína HT036 hipotética (HT036) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007013	Proteína que contiene dominio WW 1 (WWP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030897	Proteína FLJ21617 hipotética (FLJ21617) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030978	Proteína hipotética similar a complejo proteico 2/3 relacionado con actina, subunidad 5 hipotética (MGC3038) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030971	Similar a proteína tipo vehículo de tricarbóxilato de rata (BA108L7.2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030965	Similar a sialiltransferasa 7 ((alfa-N-acetilneuraminil 2,3-betagalactosil-1,3)-N-acetil galactosaminida alfa-2,6-sialiltransferasa) E (MGC3184) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030960	Asociada a acrosoma de espermatozoide 1 (SPACA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030958	Proteína relacionada con polipéptido transportador de aniones orgánicos 4 (OATPRP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030952	Proteína DKFZp434J037 hipotética (DKFZP434J037) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030940	Proteína MGC4276 hipotética similar a CG8198 (MGC4276) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030937	Proteína hCLA-iso hipotética (HCLA-ISO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030929	Proteína FKSG28 hipotética (FKSG28) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_030921	Proteína DC42 hipotética (DC42) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030917	Proteína DKFZp586K0717 hipotética (DKFZP586K0717) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030915	Proteína DKFZp566J091 hipotética (DKFZP566J091) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030914	Proteína MGC2668 hipotética (MGC2668) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030907	Proteína MGC10731 hipotética (MGC10731) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030895	Proteína FLJ14129 hipotética (FLJ14129) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030891	Que contiene repeticiones ricas en leucina 3 (LRRC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030755	Que contiene dominio de tiorredoxina (TXNDC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030819	Proteína MGC11335 hipotética (MGC11335) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030814	Proteína GL012 hipotética (GL012) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030810	Proteína MGC3178 hipotética (MGC3178) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030804	Proteína DKFZp434E2135 hipotética (DKFZP434E2135) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030794	Proteína FLJ21007 hipotética (FLJ21007) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030759	Factor de unión a receptor nuclear 2 (NRBF-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030795	Similar a estatmina 4 (STMN4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020909	Proteína KIAA1548 (KIAA1548) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018023	Proteína FLJ10201 hipotética (FLJ10201) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023009	Sustrato de C cinasa rica en alanina miristoilada de macrófagos (MACMARCKS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025230	Proteína PRO2389 hipotética (PRO2389) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025222	Proteína PRO2730 hipotética (PRO2730) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025170	Proteína FLJ12987 hipotética (FLJ12987) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024681	Proteína FLJ12242 hipotética (FLJ12242) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024928	Proteína FLJ22559 hipotética (FLJ22559) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017578	Roporina de proteína de espermatozoide de unión a AKAP (DKFZp434B1222) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030642	Apolipoproteína L, 5 (APOL5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024513	Que contiene dominio FYVE y superenrollado 1 (FYCO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030621	Helicasa-moi (KIAA0928) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030641	Apolipoproteína L, 6 (APOL6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025190	Proteína KIAA1641 (KIAA1641) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_025040	Proteína FLJ21941 hipotética (FLJ21941) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030613	Proteína FLJ21628 hipotética (FLJ21628) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024820	Proteína KIAA1608 (KIAA1608) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018015	Proteína FLJ10178 hipotética (FLJ10178) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024762	Proteína FLJ21603 hipotética (FLJ21603) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024329	Proteína MGC4342 hipotética (MGC4342) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024087	Proteína DKFZP564L0862 (DKFZP564L0862) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030594	Proteína de unión a elemento de poliadenilación citoplásmico (CPEB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025084	Proteína FLJ22795 hipotética (FLJ22795) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025090	Proteína KIAA1453 (KIAA1453) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024939	Proteína FLJ21918 hipotética (FLJ21918) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_024903	Proteína FLJ14297 hipotética (FLJ14297) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024793	Proteína KIAA0643 (KIAA0643) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024718	Proteína FLJ10101 hipotética (FLJ10101) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015652	Proteína DKFZP564P1916 (DKFZP564P1916) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025189	Proteína FLJ13659 hipotética (FLJ13659) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025021	Proteína KIAA0616 (KIAA0616) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025010	Proteína KIAA0795 (KIAA0795) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024894	Proteína FLJ14075 hipotética (FLJ14075) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024840	Proteína FLJ13590 hipotética (FLJ13590) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022782	Fosfoproteína 9 de fase M (MPHOSPH9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017558	Proteína DKFZp434L0850 hipotética (DKFZp434L0850) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030580	Proteína MGC10520 hipotética (MGC10520) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025195	Fosfoproteína regulada por rutas mitógenas (C8FW) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030581	Proteína FLJ12270 hipotética (FLJ12270) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030577	Proteína MGC10993 hipotética (MGC10993) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030576	Proteína MGC10986 hipotética (MGC10986) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030575	Proteína MGC10334 hipotética (MGC10334) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030572	Proteína MGC10946 hipotética (MGC10946) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030571	Proteína MGC10924 similar a proteína 5 de unión a Nedd4 WW (MGC10924) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_030569	Proteína MGC10848 hipotética (MGC10848) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030568	Proteína MGC10818 hipotética (MGC10818) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030567	Proteína MGC10772 hipotética (MGC10772) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025164	Proteína KIAA0999 (KIAA0999) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025132	Proteína KIAA1638 (KIAA1638) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024668	Proteína FLJ20288 hipotética (FLJ20288) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024547	Proteína KIAA0467 (KIAA0467) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018418	Proteína hipotética (HSD-3.1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025182	Proteína FLJ11560 hipotética (FLJ11560) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025168	Proteína LAP (repeticiones ricas en leucina y PDZ) y sin PDZ (LANO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025081	Proteína KIAA1305 (KIAA1305) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024750	Que contiene repeticiones ricas en leucina 2 (LRRC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025266	Proteína MGC2780 hipotética (MGC2780) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025265	Proteína MGC2776 hipotética (MGC2776) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025264	Proteína MGC2454 hipotética (MGC2454) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025247	Proteína MGC5601 hipotética (MGC5601) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025246	Proteína MGC3295 hipotética (MGC3295) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025234	Proteína de recombinación REC14 (REC14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025221	Proteína tipo calsenilina (CALP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025207	Proteína PP591 hipotética (PP591) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025204	Proteína PP2447 hipotética (PP2447) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025203	Proteína FLJ21945 hipotética (FLJ21945) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025199	Proteína FLJ20886 hipotética (FLJ20886) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025197	Proteína FLJ13660 similar a proteína C53 de unión a activador CDK5 (FLJ13660) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025187	Proteína FLJ12076 hipotética (FLJ12076) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025184	Proteína FLJ22843 hipotética (FLJ22843) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025181	Proteína FLJ22004 hipotética (FLJ22004) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025163	Proteína FLJ12768 hipotética (FLJ12768) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025159	Proteína FLJ11577 hipotética (FLJ11577) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025157	Proteína FLJ23042 hipotética (FLJ23042) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_025155	Proteína FLJ11848 hipotética (FLJ11848) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025152	Proteína FLJ12660 hipotética (FLJ12660) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025150	Proteína FLJ12528 hipotética (FLJ12528) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025147	Proteína FLJ13448 hipotética (FLJ13448) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025146	Proteína FLJ13194 hipotética (FLJ13194) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025145	Proteína FLJ22944 hipotética (FLJ22944) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025143	Proteína FLJ20856 hipotética (FLJ20856) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025140	Proteína FLJ22471 hipotética (FLJ22471) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025139	Proteína FLJ12584 hipotética (FLJ12584) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025134	Proteína FLJ12178 hipotética (FLJ12178) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025133	Proteína FLJ12673 hipotética (FLJ12673) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025130	Proteína FLJ22761 hipotética (FLJ22761) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025129	Proteína FLJ22688 hipotética (FLJ22688) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025118	Proteína FLJ13310 hipotética (FLJ13310) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025115	Proteína FLJ23263 hipotética (FLJ23263) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025113	Proteína FLJ21562 hipotética (FLJ21562) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025112	Proteína MGC11349 hipotética (MGC11349) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025108	Proteína FLJ13909 hipotética (FLJ13909) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025107	Proteína FLJ21269 hipotética (FLJ21269) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025105	Proteína FLJ12409 hipotética (FLJ12409) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025104	Proteína FLJ13087 hipotética (FLJ13087) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025103	Proteína de morfogénesis capilar 1 (CMG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025100	Proteína FLJ12294 hipotética (FLJ12294) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025093	Proteína FLJ11827 hipotética (FLJ11827) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025092	Proteína FLJ22635 hipotética (FLJ22635) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025088	Proteína FLJ13241 hipotética (FLJ13241) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025087	Proteína FLJ21511 hipotética (FLJ21511) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025082	Proteína FLJ13111 hipotética (FLJ13111) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025075	Proteína FLJ23445 hipotética (FLJ23445) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025074	Proteína FLJ22031 hipotética (FLJ22031) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_025073	Proteína FLJ21168 hipotética (FLJ21168) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025071	Proteína FLJ12190 hipotética (FLJ12190) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025069	Proteína FLJ14299 hipotética (FLJ14299) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025067	Proteína FLJ14106 hipotética (FLJ14106) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025064	Proteína FLJ23604 hipotética (FLJ23604) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025063	Proteína FLJ23550 hipotética (FLJ23550) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025059	Proteína FLJ23305 hipotética (FLJ23305) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025057	Proteína FLJ23189 hipotética (FLJ23189) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025056	Proteína FLJ23185 hipotética (FLJ23185) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025052	Proteína FLJ23074 hipotética (FLJ23074) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025049	Proteína FLJ22692 hipotética (FLJ22692) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025048	Proteína FLJ22684 hipotética (FLJ22684) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025047	Proteína FLJ22595 hipotética (FLJ22595) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025045	Proteína FLJ22582 hipotética (FLJ22582) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025031	Proteína FLJ21075 hipotética (FLJ21075) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025030	Proteína FLJ20972 hipotética (FLJ20972) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025026	Proteína FLJ14107 hipotética (FLJ14107) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025025	Proteína FLJ14100 hipotética (FLJ14100) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025024	Proteína FLJ14082 hipotética (FLJ14082) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025023	Proteína FLJ14069 hipotética (FLJ14069) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025019	Ortólogo probable de tubulina alfa 4 de ratón (FLJ13940) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025012	Proteína FLJ13769 hipotética (FLJ13769) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_025009	Proteína FLJ13621 hipotética (FLJ13621) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025008	Proteína FLJ13544 hipotética (FLJ13544) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025006	Proteína FLJ13373 hipotética (FLJ13373) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025004	Proteína FLJ13215 hipotética (FLJ13215) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025003	Proteína FLJ13166 hipotética (FLJ13166) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025002	Proteína FLJ13162 hipotética (FLJ13162) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025001	Proteína FLJ13105 hipotética (FLJ13105) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025000	Proteína FLJ13096 hipotética (FLJ13096) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_024997	Proteína FLJ12668 hipotética (FLJ12668) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024993	Proteína FLJ12568 hipotética (FLJ12568) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024992	Proteína FLJ12547 hipotética (FLJ12547) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024989	Proteína FLJ12377 hipotética (FLJ12377) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024988	Proteína FLJ12355 hipotética (FLJ12355) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024986	Proteína FLJ12331 hipotética (FLJ12331) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024980	Proteína FLJ12132 hipotética (FLJ12132) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024979	Proteína FLJ12122 hipotética (FLJ12122) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024978	Proteína FLJ12121 hipotética (FLJ12121) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024971	Proteína FLJ11726 hipotética (FLJ11726) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024970	Proteína FLJ11722 hipotética (FLJ11722) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024969	Proteína FLJ11703 hipotética (FLJ11703) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024966	Proteína FLJ11598 hipotética (FLJ11598) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024961	Proteína FLJ11370 hipotética (FLJ11370) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024959	Proteína FLJ22233 hipotética (FLJ22233) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024957	Proteína FLJ22686 hipotética (FLJ22686) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024955	Proteína FLJ23322 hipotética (FLJ23322) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024954	Proteína FLJ11807 hipotética (FLJ11807) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024952	Proteína FLJ20950 hipotética (FLJ20950) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024950	Proteína FLJ12891 hipotética (FLJ12891) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024949	Proteína FLJ22029 hipotética (FLJ22029) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024948	Proteína FLJ13397 hipotética (FLJ13397) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024946	Proteína FLJ21799 hipotética (FLJ21799) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024945	Proteína FLJ12888 hipotética (FLJ12888) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024943	Proteína FLJ23235 hipotética (FLJ23235) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024940	Proteína FLJ21034 hipotética (FLJ21034) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024937	Proteína FLJ12929 hipotética (FLJ12929) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024936	Proteína FLJ23024 hipotética (FLJ23024) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024929	Proteína FLJ23112 hipotética (FLJ23112) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024927	Proteína FLJ21019 hipotética (FLJ21019) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_024926	Proteína FLJ12571 hipotética (FLJ12571) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024923	Proteína FLJ22389 hipotética (FLJ22389) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024922	Proteína FLJ21736 hipotética (FLJ21736) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024921	Proteína FLJ22792 hipotética (FLJ22792) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024916	Proteína FLJ22814 hipotética (FLJ22814) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024915	Proteína FLJ13782 hipotética (FLJ13782) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024913	Proteína FLJ21986 hipotética (FLJ21986) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024912	Proteína FLJ14327 hipotética (FLJ14327) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024910	Proteína FLJ12700 hipotética (FLJ12700) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024902	Proteína FLJ13236 hipotética (FLJ13236) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024901	Proteína FLJ22457 hipotética (FLJ22457) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024899	Proteína FLJ12542 hipotética (FLJ12542) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024895	Proteína FLJ23209 hipotética (FLJ23209) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024892	Proteína FLJ11700 hipotética (FLJ11700) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024891	Proteína FLJ11783 hipotética (FLJ11783) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024888	Proteína FLJ11535 hipotética (FLJ11535) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_024887	Proteína FLJ13102 hipotética (FLJ13102) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024884	Proteína FLJ12618 hipotética (FLJ12618) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024883	Proteína FLJ22202 hipotética (FLJ22202) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024881	Proteína FLJ14251 hipotética (FLJ14251) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024876	Proteína FLJ12229 hipotética (FLJ12229) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024875	Proteína FLJ12921 hipotética (FLJ12921) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024872	Proteína FLJ22570 hipotética (FLJ22570) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024871	Proteína FLJ12748 hipotética (FLJ12748) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024869	Proteína FLJ14050 hipotética (FLJ14050) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024868	Proteína FLJ14124 hipotética (FLJ14124) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024866	Proteína FLJ21135 hipotética (FLJ21135) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024865	Proteína FLJ12581 hipotética (FLJ12581) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024863	Proteína FLJ21174 hipotética (FLJ21174) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024862	Proteína FLJ13962 hipotética (FLJ13962) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_024860	Proteína FLJ21148 hipotética (FLJ21148) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024857	Proteína FLJ12735 hipotética (FLJ12735) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024855	Proteína FLJ12785 hipotética (FLJ12785) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024854	Proteína FLJ22028 hipotética (FLJ22028) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024852	Proteína FLJ12765 hipotética (FLJ12765) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024850	Proteína FLJ21458 hipotética (FLJ21458) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024849	Proteína FLJ14126 hipotética (FLJ14126) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024846	Proteína FLJ11710 hipotética (FLJ11710) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024845	Proteína FLJ14154 hipotética (FLJ14154) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024844	Proteína FLJ12549 hipotética (FLJ12549) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024843	Citocromo duodenal b hipotética (FLJ23462) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024838	Proteína FLJ22002 hipotética (FLJ22002) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024834	Proteína FLJ13081 hipotética (FLJ13081) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024833	Proteína FLJ23506 hipotética (FLJ23506) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024830	Proteína FLJ12443 hipotética (FLJ12443) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024829	Proteína FLJ22662 hipotética (FLJ22662) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024828	Proteína FLJ13657 hipotética (FLJ13657) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024827	Proteína FLJ22237 hipotética (FLJ22237) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024826	Proteína FLJ21159 hipotética (FLJ21159) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024825	Proteína FLJ23447 hipotética (FLJ23447) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024824	Proteína FLJ11806 hipotética (FLJ11806) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024823	Proteína FLJ21596 hipotética (FLJ21596) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024821	Proteína FLJ22349 hipotética (FLJ22349) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024818	Proteína FLJ23251 hipotética (FLJ23251) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024817	Proteína FLJ13710 hipotética (FLJ13710) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024814	Proteína FLJ23109 hipotética (FLJ23109) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024802	Proteína FLJ21369 hipotética (FLJ21369) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024801	Proteína FLJ21551 hipotética (FLJ21551) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024800	Proteína FLJ23495 hipotética (FLJ23495) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024798	Proteína FLJ13952 hipotética (FLJ13952) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_024794	Proteína FLJ22408 hipotética (FLJ22408) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024792	Proteína FLJ22282 hipotética (FLJ22282) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024791	Proteína FLJ22756 hipotética (FLJ22756) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024790	Proteína FLJ22490 hipotética (FLJ22490) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024788	Proteína FLJ21062 hipotética (FLJ21062) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024787	Proteína FLJ12526 hipotética (FLJ12526) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024786	Proteína FLJ13153 hipotética (FLJ13153) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024785	Proteína FLJ22746 hipotética (FLJ22746) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024783	Proteína FLJ23598 hipotética (FLJ23598) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024782	Proteína FLJ12610 hipotética (FLJ12610) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024781	Proteína FLJ23594 hipotética (FLJ23594) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024779	Proteína FLJ22055 hipotética (FLJ22055) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024778	Proteína FLJ22612 hipotética (FLJ22612) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024776	Proteína FLJ21140 hipotética (FLJ21140) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024774	Proteína FLJ21924 hipotética (FLJ21924) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024770	Proteína FLJ13984 hipotética (FLJ13984) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024768	Proteína FLJ12057 hipotética (FLJ12057) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024766	Proteína FLJ23451 hipotética (FLJ23451) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024765	Proteína FLJ12401 hipotética (FLJ12401) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024764	Proteína FLJ14298 hipotética (FLJ14298) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024761	Proteína FLJ13204 hipotética (FLJ13204) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024759	Proteína FLJ13955 hipotética (FLJ13955) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024757	Proteína FLJ12879 hipotética (FLJ12879) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024756	Proteína FLJ3465 hipotética (FLJ13465) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024755	Proteína FLJ13213 hipotética (FLJ13213) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024753	Proteína FLJ11457 hipotética (FLJ11457) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024751	Proteína FLJ13273 hipotética (FLJ13273) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024748	Proteína FLJ11539 hipotética (FLJ11539) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024747	Proteína FLJ22501 hipotética (FLJ22501) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024745	Proteína FLJ22009 hipotética (FLJ22009) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_024743	Proteína FLJ21934 hipotética (FLJ21934) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024738	Proteína FLJ21415 hipotética (FLJ21415) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024736	Proteína FLJ12150 hipotética (FLJ12150) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024735	Proteína FLJ22477 hipotética (FLJ22477) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024734	Proteína de dominio transmembrana tipo calponina (calmina) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024733	Proteína FLJ14345 hipotética (FLJ14345) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024730	Proteína FLJ22655 hipotética (FLJ22655) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024729	Proteína FLJ13881 hipotética (FLJ13881) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024728	Proteína FLJ11808 hipotética (FLJ11808) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024725	Proteína FLJ23518 hipotética (FLJ23518) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024724	Proteína FLJ22332 hipotética (FLJ22332) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024721	Ortólogo probable de homeodominio 4 de dedo de cinc de ratón (FLJ20980) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024713	Proteína FLJ22557 hipotética (FLJ22557) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024712	Envolvimiento y motilidad celular 3 (homólogo de ced-12, <i>C. elegans</i>) (ELMO3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024711	Proteína FLJ22690 hipotética (FLJ22690) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024710	Proteína FLJ23469 hipotética (FLJ23469) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024708	Proteína FLJ22551 hipotética (FLJ22551) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024707	Proteína FLJ13956 hipotética (FLJ13956) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024706	Proteína FLJ13479 hipotética (FLJ13479) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024704	Proteína FLJ23045 hipotética (FLJ23045) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024702	Proteína FLJ13841 hipotética (FLJ13841) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024699	Proteína FLJ14007 hipotética (FLJ14007) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024697	Proteína FLJ22419 hipotética (FLJ22419) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024696	Proteína FLJ23058 hipotética (FLJ23058) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024694	Proteína FLJ23121 hipotética (FLJ23121) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024691	Proteína FLJ23233 hipotética (FLJ23233) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024685	Proteína FLJ23560 hipotética (FLJ23560) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024682	Proteína FLJ12168 hipotética (FLJ12168) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024680	Proteína FLJ23311 hipotética (FLJ23311) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_024679	Proteína FLJ11939 hipotética (FLJ11939) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024677	Proteína FLJ14001 hipotética (FLJ14001) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024676	Proteína FLJ22938 hipotética (FLJ22938) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024674	Proteína FLJ12457 hipotética (FLJ12457) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024671	Proteína FLJ23436 hipotética (FLJ23436) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024669	Proteína FLJ11795 hipotética (FLJ11795) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024667	Proteína FLJ12750 hipotética (FLJ12750) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024665	Subunidad del complejo de co-represor de receptor nuclear/HDAC3 (FLJ12894) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024664	Proteína FLJ11838 hipotética (FLJ11838) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024661	Proteína FLJ12436 hipotética (FLJ12436) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024660	Proteína FLJ22573 hipotética (FLJ22573) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024659	Proteína FLJ11753 hipotética (FLJ11753) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024658	Proteína FLJ23338 hipotética (FLJ23338) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024657	Proteína FLJ11565 hipotética (FLJ11565) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024656	Proteína FLJ22329 hipotética (FLJ22329) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024653	Proteína FLJ13902 hipotética (FLJ13902) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024652	Proteína FLJ23119 hipotética (FLJ23119) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024645	Proteína FLJ13842 hipotética (FLJ13842) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024644	Proteína FLJ21802 hipotética (FLJ21802) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024643	Proteína FLJ23093 hipotética (FLJ23093) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024642	Proteína FLJ21212 hipotética (FLJ21212) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024639	Proteína FLJ23393 hipotética (FLJ23393) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024638	Proteína FLJ12960 hipotética (FLJ12960) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024635	Proteína FLJ22643 hipotética (FLJ22643) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024633	Proteína FLJ21276 hipotética (FLJ21276) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024632	Proteína FLJ11526 hipotética (FLJ11526) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024631	Proteína FLJ23342 hipotética (FLJ23342) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024630	Proteína FLJ20984 hipotética (FLJ20984) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024629	Proteína FLJ23468 hipotética (FLJ23468) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024623	Proteína FLJ13491 hipotética (FLJ13491) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_024620	Proteína FLJ12586 hipotética (FLJ12586) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024619	Proteína FLJ12171 hipotética (FLJ12171) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024618	Proteína FLJ21478 hipotética (FLJ21478) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024614	Proteína FLJ13197 hipotética (FLJ13197) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024612	Proteína FLJ22060 hipotética (FLJ22060) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024608	Proteína FLJ22402 hipotética (FLJ22402) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024607	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora (inhibidora) 3B (PPP1R3B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024604	Proteína FLJ21908 hipotética (FLJ21908) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024603	Proteína FLJ11588 hipotética (FLJ11588) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024599	Proteína FLJ22341 hipotética (FLJ22341) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024598	Proteína FLJ13154 hipotética (FLJ13154) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024597	Proteína FLJ12649 hipotética (FLJ12649) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024596	Proteína FLJ12847 hipotética (FLJ12847) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024594	Proteína FLJ12899 hipotética (FLJ12899) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024593	Proteína FLJ11767 hipotética (FLJ11767) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024592	Proteína FLJ13352 hipotética (FLJ13352) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024590	Proteína FLJ23548 hipotética (FLJ23548) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024589	Proteína FLJ22386 hipotética (FLJ22386) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024588	Proteína FLJ23584 hipotética (FLJ23584) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_024587	Proteína FLJ22353 hipotética (FLJ22353) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024583	Proteína FLJ23142 hipotética (FLJ23142) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024582	Proteína FLJ23056 hipotética (FLJ23056) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_102458 1	Proteína FLJ13942 hipotética (FLJ13942) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024579	Proteína FLJ23221 hipotética (FLJ23221) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024578	Proteína FLJ22709 hipotética (FLJ22709) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024577	Proteína FLJ13605 hipotética (FLJ13605) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024576	Proteína FLJ21079 hipotética (FLJ21079) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024575	Proteína FLJ23467 hipotética (FLJ23467) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024574	Proteína FLJ23191 hipotética (FLJ23191) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024573	Proteína FLJ12910 hipotética (FLJ12910) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_024572	Proteína FLJ12691 hipotética (FLJ12691) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024569	Proteína FLJ21047 hipotética (FLJ21047) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024567	Proteína FLJ21616 hipotética (FLJ21616) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024564	Proteína FLJ11715 hipotética (FLJ11715) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024563	Proteína FLJ14054 hipotética (FLJ14054) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024560	Proteína FLJ21963 hipotética (FLJ21963) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024558	Proteína FLJ13920 hipotética (FLJ13920) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024557	Proteína FLJ11608 hipotética (FLJ11608) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024554	Proteína FLJ11413 hipotética (FLJ11413) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024548	Proteína FLJ23047 hipotética (FLJ23047) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024545	Proteína FLJ12761 hipotética (FLJ12761) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024544	Proteína FLJ12875 hipotética (FLJ12875) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024541	Proteína FLJ13114 hipotética (FLJ1 3114) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024539	Proteína FLJ23516 hipotética (FLJ23516) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024537	Proteína FLJ12118 hipotética (FLJ12118) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024536	Proteína FLJ22678 hipotética (FLJ22678) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024535	Proteína FLJ22021 hipotética (FLJ22021) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024533	Proteína FLJ22167 hipotética (FLJ22167) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024531	Proteína FLJ11856 hipotética (FLJ11856) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024530	Proteína FLJ23306 hipotética (FLJ23306) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024528	Proteína FLJ22626 hipotética (FLJ22626) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024527	Proteína FLJ11743 hipotética (FLJ11743) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024525	Proteína FLJ22584 hipotética (FLJ22584) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024524	Proteína FLJ20986 hipotética (FLJ20986) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024521	Proteína FLJ21459 hipotética (FLJ21459) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024520	Proteína FLJ22555 hipotética (FLJ22555) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024519	Proteína FLJ13725 hipotética (FLJ13725) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024509	Proteína MGC2656 hipotética (MGC2656) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024506	Proteína MGC10771 hipotética (MGC10771) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022893	CLL de linfocitos B/linfoma 11A (proteína de dedo de cinc) (BCL11A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_015113	Proteína KIAA0399 (KIAA0399) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015545	Proteína KIAA0632 (KIAA0632) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020299	Familia 1 de aldo-ceto reductasa, miembro B10 (aldosa reductasa) (AKR1B10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003308	Proteína específica de testículo, ligada a Y(TSPY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024339	Proteína MGC2655 hipotética (MGC2655) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024334	Proteína MGC3222 hipotética (MGC3222) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024328	Proteína MGC2652 hipotética (MGC2652) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024327	Proteína MGC2508 hipotética (MGC2508) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024323	Proteína MGC11271 hipotética (MGC11271) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_024322	Proteína MGC11266 hipotética (MGC11266) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024320	Proteína MGC11242 hipotética (MGC11242) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024319	Proteína MGC4174 hipotética (MGC4174) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024314	Proteína MGC4294 hipotética (MGC4294) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024313	Proteína MGC3731 hipotética (MGC3731) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024310	Proteína MGC4090 hipotética (MGC4090) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024303	Proteína MGC4161 hipotética (MGC4161) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024297	Proteína MGC2941 hipotética (MGC2941) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024293	Proteína MGC3035 hipotética (MGC3035) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023003	Miembro de superfamilia transmembrana 6 1 (TM6SF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015254	Miembro de familia de cinesina 13B (KIF13B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015127	Canal de cloruro relacionado con Mid-1 1 (KIAA0761) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024033	Proteína MGC5242 hipotética (MGC5242) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024122	Proteína MGC4825 hipotética (MGC4825) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024121	Proteína FLJ20979 hipotética (FLJ20979) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024119	Proteína FLJ11354 hipotética (FLJ11354) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024117	Proteína MGC2745 hipotética (MGC2745) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024115	Proteína MGC4309 hipotética (MGC4309) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024111	Proteína MGC4504 hipotética (MGC4504) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024109	Proteína MGC2654 hipotética (MGC2654) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024108	Proteína MGC2650 hipotética (MGC2650) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_024107	Proteína MGC3123 hipotética (MGC3123) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024106	Proteína MGC2663 hipotética (MGC2663) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024104	Proteína MGC2747 hipotética (MGC2747) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024102	Proteína MGC2722 hipotética (MGC2722) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024097	Proteína MGC955 hipotética (MGC955) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024094	Proteína MGC5528 hipotética (MGC5528) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024093	Proteína MGC5509 hipotética (MGC5509) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024090	Proteína MGC5487 (LCE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024086	Proteína MGC3329 hipotética (MGC3329) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024085	Proteína FLJ22169 hipotética (FLJ22169) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024080	Proteína MGC2849 hipotética (MGC2849) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024076	Proteína MGC2628 hipotética (MGC2628) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024074	Proteína MGC3169 hipotética (MGC3169) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024071	Proteína MGC2550 hipotética (MGC2550) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024070	Proteína MGC2463 hipotética (MGC2463) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024069	Proteína MGC2749 hipotética (MGC2749) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024068	Proteína MGC2731 hipotética (MGC2731) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024065	Proteína MGC3062 hipotética (MGC3062) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024061	Proteína MGC5521 hipotética (MGC5521) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024058	Proteína MGC5590 hipotética (MGC5590) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024057	Proteína MGC5585 hipotética (MGC5585) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024053	Proteína MGC861 hipotética (MGC861) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024050	Proteína MGC2594 hipotética (MGC2594) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024049	Proteína MGC5566 hipotética (MGC5566) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024048	Proteína MGC3020 hipotética (MGC3020) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024046	Proteína MGC8407 hipotética (MGC8407) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024045	Proteína nucleolar GU2 (GU2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024041	Proteína MGC3180 hipotética (MGC3180) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024039	Proteína MGC2488 hipotética (MGC2488) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024038	Proteína MGC2803 hipotética (MGC2803) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_024037	Proteína MGC2603 hipotética (MGC2603) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024032	Proteína MGC3130 hipotética (MGC3130) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024031	Proteína MGC3121 hipotética (MGC3121) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024028	Proteína MGC3265 hipotética (MGC3265) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024027	Proteína MGC3279 hipotética similar a colectinas (MGC3279) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024025	Proteína MGC1136 hipotética (MGC1136) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024006	Proteína IMAGE3455200 hipotética (IMAGE3455200) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015653	Proteína DKFZP566F0546 (DKF2P566F0546) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015147	Proteína KIAA0582 (KIAA0582) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016481	Proteína hipotética (HSPC219) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023940	Proteína MGC2827 hipotética (MGC2827) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023938	Proteína MGC2742 hipotética (MGC2742) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023931	Proteína MGC2474 hipotética (MGC2474) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015517	Proteína de dedo de cinc que interacciona con MBD2 (proteína de unión a metil-CpG) (MIZF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015540	Proteína DKFZP727M111 (DKFZP727M111) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015043	Proteína KIAA0676 (KIAA0676) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023934	Proteína MGC2495 hipotética (MGC2495) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023928	Proteína FLJ12389 similar a acetoacetyl-CoA sintetasa hipotética (FLJ12389) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023926	Proteína FLJ12895 hipotética (FLJ12895) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023924	Proteína FLJ13441 hipotética (FLJ13441) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020239	Efactor proteico pequeño 1 de Cdc42 (SPEC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012069	ATPasa, transportadora de (Na ⁺)/K ⁺ , polipéptido beta 4 (ATP1B4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023112	Proteína FLJ21916 hipotética (FLJ21916) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015324	Proteína KIAA0409 (KIAA0409) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023079	Proteína FLJ13855 hipotética (FLJ13855) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023077	Proteína FLJ12439 hipotética (FLJ12439) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023075	Proteína FLJ11585 hipotética (FLJ11585) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023074	Proteína FLJ 12644 hipotética (FLJ 12644) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023073	Proteína FLJ13231 hipotética (FLJ13231) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_023071	Proteína FLJ13117 hipotética (FLJ13117) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012319	Proteína LIV-1, regulada por estrógenos (LIV-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023012	Proteína FLJ11021 hipotética similar a factor de corte y empalme, rico en arginina/serina 4 (FLJ11021) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023008	Proteína FLJ12949 hipotética (FLJ12949) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023007	Proteína FLJ12517 hipotética (FLJ12517) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022918	Proteína FLJ22104 hipotética (FLJ22104) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022914	Proteína 24432 hipotética (24432) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022912	Proteína FLJ13110 hipotética (FLJ13110) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022907	Proteína FLJ23053 hipotética (FLJ23053) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022905	Proteína FLJ12572 hipotética (FLJ12572) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022901	Proteína FLJ21302 hipotética (FLJ21302) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022898	CLL de linfocitos B/linfoma 11B (proteína de dedo de cinc) (BCL11B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022841	Proteína FLJ12994 hipotética (FLJ12994) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022840	Proteína FLJ23017 hipotética (FLJ23017) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022834	Proteína FLJ22215 hipotética (FLJ22215) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022832	Proteína FLJ12552 hipotética (FLJ12552) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022827	Proteína FLJ21347 hipotética (FLJ21347) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022826	Axotrofina (AXOT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022823	Proteína FLJ22362 hipotética (FLJ22362) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022781	Proteína FLJ21343 hipotética (FLJ21343) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022780	Proteína FLJ13910 hipotética (FLJ13910) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022778	Proteína DKFZp434L0117 hipotética (DKFZP434L0117) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_022777	Proteína FLJ14117 hipotética (FLJ14117) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022771	Proteína FLJ12085 hipotética (FLJ12085) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022770	Proteína FLJ13912 hipotética (FLJ13912) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022769	Proteína FLJ21868 hipotética (FLJ21868) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022767	Proteína FLJ12484 hipotética (FLJ12484) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022766	Proteína FLJ23239 hipotética (FLJ23239) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022763	Proteína FLJ23399 hipotética (FLJ23399) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022762	Proteína FLJ22318 hipotética (FLJ22318) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_022759	Proteína FLJ21865 hipotética (FLJ21865) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022754	Proteína FLJ12876 hipotética (FLJ12876) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022752	Proteína FLJ22059 hipotética (FLJ22059) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022751	Proteína FLJ21610 hipotética (FLJ21610) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022750	Proteína FLJ22693 hipotética (FLJ22693) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022747	Proteína FLJ22558 hipotética (FLJ22558) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022744	Proteína FLJ13868 hipotética (FLJ13868) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022743	Proteína FLJ21080 hipotética (FLJ21080) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022741	Proteína FLJ11850 hipotética (FLJ11850) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022736	Proteína FLJ14153 hipotética (FLJ14153) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022734	Proteína FLJ20859 hipotética (FLJ20859) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022731	Similar a caseína cinasa ubicua nuclear 2 de rata (NUCKS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022727	Locus 9C de fragmentos minúsculos de HpaII (HTF9C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012197	Proteína activadora de GTPasa rab6 (asociada con GAP y centrosoma) (GAPCENA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015136	Proteína KIAA0246 (stab1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022659	Ortólogo probable de factor 2 de linfocitos B tempranos de ratón (FLJ11500) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022571	Receptor de factor activador de plaquetas y leucocitos putativo (HUMNPIIY20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021024	Tipo proteína 17 de grupo de alta movilidad (cromosómica no de histona) 1 (HMG17L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019884	Glucógeno sintasa cinasa 3 alfa (GSK3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021034	Proteína 3 transmembrana inducida por interferón (1-8U) (IFITM3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022445	Tiamina pirofosfocinasa 1 (TPK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022495	Proteína FLJ12799 hipotética (FLJ12799) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022494	Proteína FLJ21952 hipotética (FLJ21952) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022492	Proteína FLJ12788 hipotética (FLJ12788) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022488	Proteína PC3-96 (PC3-96) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022480	Proteína FLJ12587 hipotética (FLJ12587) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022474	Proteína FLJ12615 hipotética similar a proteína de membrana, palmitoilada 3 (miembro 5 de subfamilia de MAGUK p55) (FLJ12615) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_022455	Co-regulador 267 asociado a receptor de andrógenos (ARA267) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022452	Proteína FLJ11618 hipotética (FLJ11618) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022448	Proteína FLJ21817 hipotética similar a Rhoip2 (FLJ21817) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022373	Proteína FLJ22313 hipotética (FLJ22313) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022370	Proteína FLJ21044 hipotética similar a Rbig1 (FLJ21044) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022368	Praja 1 (PJA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022366	Proteína FLJ23182 hipotética (FLJ23182) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022361	Proteína popeye 3 (POP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022360	Específica de epidídimo humano 3 beta (HE3-BETA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022342	Miembro de la familia de quinesina 9 (KIF9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022372	Tipo subunidad beta de proteína G (GBL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022158	Fluctosamina-3-cinasa (FN3K) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022137	Proteína de unión a calcio modular secretado 1 (SMOC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_022118	Antígeno tumoral de linfoma de linfocitos T cutáneo se70-2 (SE70-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022116	Tipo fidgetina 1 (FIGNL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022103	Proteína de dedo de cinc hipotética FLJ14011 hipotética (FLJ14011) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022070	Proteína FLJ22087 hipotética (FLJ22087) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022065	Proteína FLJ21877 hipotética (FLJ21877) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021970	Proteína 1 que interacciona con proteína cinasa cinasa activada por mitógeno 1 (MAP2K1IP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019081	Producto génico de KIAA0430 (KIAA0430) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021981	Proteína asociada a pre-linfocitos T/NK (1D12A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020121	Tipo UDP-glucosa ceramida glucosiltransferasa 2 (UGCGL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006683	Específica de epidídimo humano 3 alfa (HE3-ALPHA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006077	Autoantígeno relacionado con atopía de unión a calcio 1 (CBARA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021934	Proteína FLJ11773 hipotética (FLJ11773) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021933	Proteína FLJ12438 hipotética (FLJ12438) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021930	Proteína que interacciona con Rad50 1 (FLJ11785) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021929	Proteína FLJ21613 hipotética similar a proteína relacionada con curación de heridas corneales de rata (FLJ21613) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007272	Quimiotripsina C (caldecrina) (CTRC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004237	Interactor con receptor de hormona tiroidea 13 (TRIP13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003849	Succinato-CoA ligasa, formadora de GDP, subunidad alfa (SUCLG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021648	Proteína KIAA0721(KIAA0721) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021831	Proteína FLJ21839 hipotética (FLJ21839) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021827	Proteína FLJ23514 hipotética (FLJ23514) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021195	Claudina 6 (CLDN6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018947	Citocromo c (HCS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021732	Proteína PP5395 hipotética (PP5395) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021730	Proteína PP1044 hipotética (PP1044) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021643	Proteína GS3955 (GS3955) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015180	Gen expresado en núcleos sinópticos 2 (SYNE-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021633	Proteína C3IP1 tipo kelch (C3IP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021629	Proteína de unión a nucleótidos de guanina subunidad beta 4 (GNB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021627	Proteasa específica de sentrina (SEN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021626	Homólogo probable de serina carboxipeptidasa inducible por retinoides de rata y de ratón (RISC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021622	Miembro 1 de la familia A (específico de unión a fosfoinositida) que contiene dominio de homología de pleckstrina (PLEKHA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012408	Proteína de unión a proteína cinasa C 1 (PRKCBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021252	RAB18, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020806	Gefirina (GPHN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021258	Receptor 22 de interleucina (IL22R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021235	Sustrato de receptor de factor de crecimiento epidérmico EPS15R (EPS15R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021204	Enzima E-1 (MASA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021191	Diferenciación neurogénica 4 (NEUROD4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021178	Potenciador de invasión 10 (HEI10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021127	Proteína inducida por forbol-12-miristato-13-acetato 1 (PMAIP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021114	Inhibidor de serina proteasa, tipo Kazal, 2 (inhibidor de acrosina-tripsina) (SPINK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021103	Timosina, beta 10 (TMSB10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006435	Proteína transmembrana inducida por interferón 2 (1-8D) (IFITM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_021073	Proteína morfogenética del hueso 5 (BMP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003142	Antígeno de síndrome de Sjögren B (autoantígeno La) (SSB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003888	Familia de aldehído deshidrogenasa 1, miembro A2 (ALDH1A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_013234	Gen específico de músculo (M9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021067	Producto génico de KIAA0186 (KIAA0186) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021020	Cremallera de leucina, supresor 1 de tumor putativo (LZTS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021025	Tipo caja homeótica 11 2 (HOX11L2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021003	Proteína fosfatasa 1A (anteriormente 2C), dependiente de magnesio, isoforma alfa (PPM1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020674	Citocromo P450 monooxigenasa (CYP-M) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019612	Proteína R30953_1 hipotética (R30953_1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020904	Miembro 4 de la familia A (específico de unión a fosfoinositida) que contiene domino de homología de pleckstrina (PLEKHA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020686	Proteína NPD009 (NPD009) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020684	Proteína NPD007 (NPD007) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020683	Proteína AD026 (AD026) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020679	Proteína AD023 (AD023) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020677	Proteína HSCARG (HSCARG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020675	Proteína AD024 (AD024) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020673	RAB22A, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB22A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020660	Conexina-36 (CX36) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019108	Proteína FLJ12886 hipotética (FLJ12886) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018838	Proteína asociada a diferenciación de 13 kDa (DAP13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018434	Proteína goliath (GP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020437	Similar a aspartato beta hidroxilasa (ASPH) (LOC57168) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020524	Proteína que interacciona con PBX hematopoyética (HPIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018638	Etanolamina cinasa (EKI1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016326	Factor 1 tipo quimiocina (CKLF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016951	Factor 1 tipo quimiocina (CKLF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020143	Proteína putativa de 28 kDa (LOC56902) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020141	Proteína x 013 (AD-020) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_020122	Factor modulador de canal de potasio (PCMF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018843	Proteína de Familia de transportadores mitocondrial (MCFP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018840	Proteína de interacción con Rab5 putativa (RIP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016303	Homólogo de pp21 (LOC51186) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016300	Fosfoproteína regulada por AMP cíclico, 21 kD (ARPP-21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016299	Ortólogo probable de proteína de choque térmico de ratón, 70 kDa 4 (LOC51182) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013259	Proteína neuronal (NP25) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005064	Subfamilia de citocina inducible pequeña A (Cys-Cys), miembro 23 (SCYA23) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013260	Proteína reguladora de la transcripción (HCNGP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020433	Proteína LOC57158 hipotética (LOC57158) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020410	Proteína CGI-152 (CGI-152) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020401	Proteína del complejo de poro nuclear (NUP107) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020400	Receptor acoplado a proteína G 92 (GPR92) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020397	Proteína cinasa tipo CamKI (LOC57118) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020388	Proteína CATX-15 (CATX-15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020386	Supresor tipo HRAS (HRASLS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020361	Precursor de carboxipeptidasa B (CPAH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020357	Proteína nuclear que contiene PEST (Pcnp) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020345	Proteína tipo Ras que interacciona con I-kappa-B 1 (KBRAS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020360	Fosfolípido escramblasa 3 (PLSCR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020348	Ciclina M1 (CNNM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000888	Integrina, beta 6 (ITGB6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020181	Proteína tipo proteína proteolípica de mielina (PLPL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020144	Poli(A) polimerasa beta (específica de testículo) (PAPOLB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020202	Proteína Nit 2 (NIT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020250	Proteína MOST2 (MOST2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020237	Proteína MOST-1 (MOST-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020234	Proteína x 009 (MDS009) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020128	Proteína nuclear de doble minuto 1 (MDM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_020169	Proteína latexina (LXN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020133	Ácido lisofosfatídico aciltransferasa-delta (LPAAT-delta) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020241	Dominio sema, dominio transmembrana (TM) y dominio citoplásmico, (semaforina) 6B (SEMA6B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020163	Semaforina sem2 (LOC56920) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020199	Proteína HTGN29 (HTGN29) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020197	Proteína HSKM-B (HSKM-B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020200	Proteína HHGP (HHGP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020195	Proteína HCDI (HCDI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020198	Proteína GK001 (GK001) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020117	Proteína FLJ10595 hipotética (FLJ10595) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020119	Proteína FLB6421 hipotética (FLB6421) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020162	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 33 (DDX33) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020215	Proteína DKFZp761F2014 hipotética (DKFZp761F2014) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020221	Proteína DKFZp547I224 hipotética (DKFZp547I224) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020217	Proteína DKFZp547I014 hipotética (DKFZp547I014) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020161	Proteína DKFZp547H025 hipotética (DKFZp547H025) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020186	Proteína DC11 (DC11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020205	Dedo de cinc celular anti-NF-kappaB Cezanne (CEZANNE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019887	Segundo activador de caspasa derivado de mitocondria (SMAC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019892	Homólogo de fosfatidilinositol (4,5) bisfosfato 5-fosfatasa; fosfatidilinositol polifosfato 5-fosfatasa tipo IV (PPI5PIV) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019885	Proteína metabolizante de citocromo P450 retinoide (P450RAI-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019845	Mediador candidato de la detención de G2 dependiente de p53 (REPRIMO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019853	Subunidad reguladora 2 de proteína fosfatasa 4 (PPP4R2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013301	Proteína predicha por el clon 23882 (HSU79303) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013300	Proteína predicha por el clon 23733 (HSU79274) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013296	Proteína LGN (HSU54999) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013293	Transformador 2 alfa (htra-2 alfa) (HSU53209) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013310	Proteína hipotética (AF038169) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018975	Proteína RAP1 telomérica que interacciona con TRF2 (RAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_019082	ARN helicasa nucleolar putativa (NOH61) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019020	Proteína hipotética (FLJ20748) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019058	RTP801 sensible a HIF-1 (FLJ20500) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019056	Proteína neuronal 17.3 (P17.3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019042	Proteína hipotética (FLJ20485) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019061	Subunidad adaptadora de fosfatidilinositol-3 fosfato 3-fosfatasa (3-PAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018986	Proteína hipotética (FLJ20356) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019034	Familia de gen homólogo de ras, miembro F (en filopodios) (ARHF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019062	Proteína hipotética (FLJ20225) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019038	Proteína hipotética (FLJ11045) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019044	Proteína hipotética (FLJ10996) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018180	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 32 (DDX32) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019028	Proteína hipotética similar a proteína que contiene repetición de anquirina AKR1 (FLJ10852) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019014	Similar a ARN polimerasa I dirigida por ADN (135 kDa) (Rpo1-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019023	Proteína hipotética (FLJ10640) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018162	Proteína FLJ10633 hipotética (FLJ10633) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019067	Proteína hipotética (FLJ10613) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019057	Proteína hipotética (FLJ10404) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018846	Proteína SBB126 (SBB126) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016483	Proteína hipotética (HSPC226) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018400	Subunidad beta 3 de canal de sodio abierto por tensión (gen scn3b) (HSA243396) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018700	Que contiene motivo tripartito 36 (TRIM36) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018547	Proteína PRO2964 hipotética (PRO2964) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018546	Proteína PRO2958 hipotética (PRO2958) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018544	Proteína PRO2949 hipotética (PRO2949) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018634	Proteína PRO2893 hipotética (PRO2893) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018543	Proteína PRO2859 hipotética (PRO2859) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018542	Proteína PRO2834 hipotética (PRO2834) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018538	Proteína asociada a membrana de eritroblastos (ERMAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018534	Proteína PRO2714 hipotética (PRO2714) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018530	Proteína PRO2521 hipotética (PRO2521) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018627	Proteína PRO2405 hipotética (PRO2405) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018523	Proteína PRO2325 hipotética (PRO2325) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018519	Proteína PRO2266 hipotética (PRO2266) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018517	Proteína PRO2214 hipotética (PRO2214) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018621	Proteína PRO2198 hipotética (PRO2198) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018619	Proteína PRO2133 hipotética (PRO2133) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018618	Proteína PRO2121 hipotética (PRO2121) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018616	Proteína PRO2037 hipotética (PRO2037) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018512	Proteína PRO2015 hipotética (PRO2015) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018610	Proteína PRO1942 hipotética (PRO1942) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018510	Proteína PRO1866 hipotética (PRO1866) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018507	Proteína PRO1843 hipotética (PRO1843) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018606	Proteína PRO1787 hipotética (PRO1787) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018589	Proteína PRO1635 hipotética (PRO1635) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018587	Proteína PRO1617 hipotética (PRO1617) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018503	Proteína PRO1598 hipotética (PRO1598) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018586	Proteína PRO1584 hipotética (PRO1584) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018502	Proteína PRO1580 hipotética (PRO1580) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018603	Proteína PRO1496 hipotética (PRO1496) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018584	Proteína PRO1489 hipotética (PRO1489) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018582	Proteína PRO 1483 hipotética (PRO1483) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018602	Homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia A, miembro 4 (DNAJA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018578	Proteína PRO1257 hipotética (PRO1257) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018576	Proteína PRO1163 hipotética (PRO1163) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018497	Proteína PRO 1048 hipotética (PRO1048) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018565	Proteína PRO0899 hipotética (PRO0899) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018562	Proteína PRO0386 hipotética (PRO0386) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018590	Proteína PRO0082 (PRO0082) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018667	Esfingomielina fosfodiesterasa 3, membrana neutra (esfingomielinasa neutra II) (SMPD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017544	Factor de transcripción NRF (NRF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018468	Proteína de células progenitoras/madre hematopoyéticas no caracterizadas MDS033 (MDS033) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018467	Proteína de células progenitoras/madre hematopoyéticas no caracterizadas MDS032 (MDS032) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018464	Proteína de células progenitoras/madre hematopoyéticas no caracterizadas MDS029 (MDS029) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_018688	Integrador de enlace 3 (BIN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018686	Ácido CMP-N-acetilneuramínico sintasa (CMAS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_018446	Glucosiltransferasa AD-017 (AD-017) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018416	Factor forkhead FOXJ2 (FHX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018407	Transportador de membrana integral putativa (LC27) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018472	Proteína del hipotálamo no caracterizada HT011 (HT011) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018471	Proteína del hipotálamo no caracterizada HT010 (HT010) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018470	Proteína del hipotálamo no caracterizada HT009 (HT009) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018469	Proteína del hipotálamo no caracterizada HT008 (HT008) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017523	Factor 1 asociado a XIAP (HSXIAPAF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017514	Gen SEX (HSSEXGENE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017512	Proteína rTS beta (HSRTSBETA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016536	Proteína HSPC059 (HSPC059) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018553	Proteína ELG (HSA277841) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018403	Factor de transcripción (gen de SMIF) (HSA275986) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018404	Centaurina, alfa 2 (CENTA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018401	Gen para serina/treonina proteína cinasa (HSA250839) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017582	Proteína NICE-5 (HSA243666) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018684	Antígeno 127 asociado al carcinoma hepatocelular (HCA127) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018477	Proteína del hipotálamo no caracterizada HARP11 (HARP11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018652	Proteína tipo golgina (GLP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017962	Proteína FLJ20825 hipotética (FLJ20825) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017961	Proteína FLJ20813 hipotética (FLJ20813) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_017960	Proteína FLJ20808 hipotética (FLJ20808) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017959	Proteína FLJ20802 hipotética (FLJ20802) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017958	Proteína FLJ20783 hipotética (FLJ20783) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017957	Epsina 3 (FLJ20778) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017956	Proteína FLJ20772 hipotética (FLJ20772) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017950	Proteína FLJ20753 hipotética (FLJ20753) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017949	Proteína FLJ20739 hipotética (FLJ20739) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017946	Proteína FLJ20731 hipotética (FLJ20731) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017953	Proteína FLJ20729 hipotética (FLJ20729) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017943	Proteína FLJ20725 hipotética (FLJ20725) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017941	Proteína FLJ20721 hipotética (FLJ20721) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017938	Proteína FLJ20716 hipotética (FLJ20716) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017937	Proteína FLJ20712 hipotética (FLJ20712) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017932	Proteína FLJ20700 hipotética (FLJ20700) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017929	Proteína FLJ20695 hipotética (FLJ20695) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017928	Proteína FLJ20694 hipotética (FLJ20694) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017925	Proteína FLJ20686 hipotética (FLJ20686) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017920	Proteína FLJ20654 hipotética (FLJ20654) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017919	Proteína FLJ20651 hipotética (FLJ20651) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017918	Proteína FLJ20647 hipotética (FLJ20647) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017917	Proteína FLJ20644 hipotética (FLJ20644) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017916	Proteína FLJ20643 hipotética (FLJ20643) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017915	Proteína FLJ20641 hipotética (FLJ20641) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017912	Proteína FLJ20637 hipotética (FLJ20637) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_017909	Proteína FLJ20627 hipotética (FLJ20627) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_017907	Proteína FLJ20625 hipotética (FLJ20625) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017903	Proteína FLJ20618 hipotética (FLJ20618) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017901	Canal 1 de dos poros, homólogo (KIAA1169) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017900	Proteína FLJ20608 hipotética (FLJ20608) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017899	Proteína FLJ20607 hipotética (TSC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_017897	Proteína FLJ20604 hipotética (FLJ20604) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017894	Proteína FLJ20595 hipotética (FLJ20595) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017893	Dominio sema, dominio de inmunoglobulina (Ig), dominio transmembrana (TM) y dominio citoplásmico corto, (semaforina) 4G (SEMA4G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017891	Proteína FLJ20584 hipotética (FLJ20584) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017885	Proteína FLJ20568 hipotética (FLJ20568) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017881	Proteína FLJ20559 hipotética (FLJ20559) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017876	Proteína FLJ20552 hipotética (FLJ20552) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017873	Proteína FLJ20548 hipotética (FLJ20548) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017868	Proteína FLJ20535 hipotética (FLJ20535) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017866	Proteína FLJ20533 hipotética (FLJ20533) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017863	Proteína FLJ20527 hipotética (FLJ20527) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017860	Proteína FLJ20519 hipotética (FLJ20519) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017858	Proteína FLJ20516 hipotética (FLJ20516) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017856	Proteína FLJ20514 hipotética (FLJ20514) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017854	Proteína FLJ20512 hipotética (FLJ20512) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017853	Proteína FLJ20511 hipotética (FLJ20511) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017851	Proteína FLJ20509 hipotética (FLJ20509) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017848	Proteína FLJ20506 hipotética (FLJ20506) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017843	Secuencia amplificada de carcinoma de mama 4 (BCAS4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017836	Proteína FLJ20473 hipotética (FLJ20473) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017834	Proteína FLJ20464 hipotética (FLJ20464) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017831	Proteína FLJ20456 hipotética (FLJ20456) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017828	Proteína FLJ20452 hipotética (FLJ20452) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017825	Proteína FLJ20446 hipotética (FLJ20446) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017824	Proteína FLJ20445 hipotética (FLJ20445) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017819	Proteína FLJ20432 hipotética (FLJ20432) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017817	Proteína FLJ20429 hipotética (FLJ20429) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017816	Proteína FLJ20425 hipotética (FLJ20425) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017814	Proteína FLJ20422 hipotética (FLJ20422) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017813	Proteína FLJ20421 hipotética (FLJ20421) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_017812	Proteína FLJ20420 hipotética (FLJ20420) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017808	Proteína FLJ20413 hipotética (FLJ20413) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017805	Proteína FLJ20401 hipotética (FLJ20401) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017803	Proteína FLJ20399 hipotética (FLJ20399) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017801	Proteína FLJ20396 hipotética (FLJ20396) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017799	Proteína FLJ20392 hipotética (FLJ20392) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017793	Proteína FLJ20374 hipotética (FLJ20374) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017791	Proteína FLJ20371 hipotética (FLJ20371) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017787	Proteína FLJ20154 hipotética (FLJ20154) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017782	Proteína FLJ20360 hipotética (FLJ20360) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017781	Proteína FLJ20359 hipotética (FLJ20359) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017779	Proteína FLJ20354 hipotética (FLJ20354) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017777	Proteína FLJ20345 hipotética (FLJ20345) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017776	Proteína FLJ20344 hipotética (FLJ20344) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017773	Proteína FLJ20340 hipotética (FLJ20340) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017769	Proteína FLJ20333 hipotética (FLJ20333) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017767	Proteína FLJ20327 hipotética (FLJ20327) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017766	Proteína FLJ20321 hipotética (FLJ20321) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017765	Proteína FLJ20320 hipotética (FLJ20320) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017763	Proteína FLJ20315 hipotética (FLJ20315) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017761	Proteína FLJ20312 hipotética (FLJ20312) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017760	Proteína FLJ20311 hipotética (FLJ20311) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017755	Proteína FLJ20303 hipotética (FLJ20303) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017752	Proteína FLJ20298 hipotética (FLJ20298) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017750	Proteína FLJ20296 hipotética (FLJ20296) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017746	Proteína FLJ20287 hipotética (FLJ20287) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017745	Proteína FLJ20285 hipotética (FLJ20285) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017742	Proteína FLJ20281 hipotética (FLJ20281) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017741	Proteína FLJ20280 hipotética (FLJ20280) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017739	Manosa beta 1,2-N-acetilglucosaminiltransferasa ligada a O (FLJ20277) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_017737	Proteína FLJ20275 hipotética (FLJ20275) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017729	Proteína FLJ20258 hipotética (FLJ20258) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017728	Proteína FLJ20255 hipotética (FLJ20255) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017727	Proteína FLJ20254 hipotética (FLJ20254) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017724	Proteína 2 que interacciona con repetición rica en leucina (en FLII) 2 (LRRFIP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017721	Proteína FLJ20241 hipotética (FLJ20241) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017713	Proteína FLJ20211 hipotética (FLJ20211) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017712	Proteína FLJ20208 hipotética (FLJ20208) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017710	Proteína FLJ20203 hipotética (FLJ20203) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017708	Proteína FLJ20200 hipotética (FLJ20200) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017707	Proteína FLJ20199 hipotética (FLJ20199) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017706	Proteína FLJ20195 hipotética (FLJ20195) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017705	Proteína FLJ20190 hipotética (FLJ20190) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017703	Proteína FLJ20188 hipotética (FLJ20188) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017702	Proteína FLJ20186 hipotética (FLJ20186) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017700	Proteína FLJ20184 hipotética (FLJ20184) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017696	Proteína FLJ20170 hipotética (FLJ20170) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017694	Proteína FLJ20160 hipotética (FLJ20160) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017693	Proteína FLJ20159 hipotética (FLJ20159) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017691	Proteína FLJ20156 hipotética (FLJ20156) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017689	Proteína FLJ20151 hipotética (FLJ20151) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017688	Proteína FLJ20150 hipotética (FLJ20150) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017685	Proteína FLJ20139 hipotética (FLJ20139) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017684	Proteína FLJ20136 hipotética (FLJ20136) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017682	Proteína FLJ20132 hipotética (FLJ20132) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017681	Proteína FLJ20130 hipotética (FLJ20130) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017679	Proteína FLJ20128 hipotética (FLJ20128) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017674	Proteína FLJ20123 hipotética (FLJ20123) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017664	Proteína FLJ20093 hipotética (FLJ20093) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017661	Proteína FLJ20086 hipotética (FLJ20086) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_017660	Proteína FLJ20085 hipotética (FLJ20085) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017658	Proteína FLJ20081 hipotética (FLJ20081) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017656	Proteína FLJ20079 hipotética (FLJ20079) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017655	Proteína FLJ20075 hipotética (FLJ20075) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017654	Proteína FLJ20073 hipotética (FLJ20073) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017653	Proteína FLJ20071 hipotética (FLJ20071) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017651	Proteína FLJ20069 hipotética (FLJ20069) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017650	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora (inhibidora) 9A (PPP1R9A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017649	Ciclina M2 (CNNM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017644	Proteína FLJ20059 hipotética (FLJ20059) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017643	Proteína FLJ20055 hipotética (FLJ20055) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017639	Proteína FLJ20047 hipotética (FLJ20047) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017638	Proteína FLJ20045 hipotética (FLJ20045) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017633	Proteína FLJ20037 hipotética (FLJ20037) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017631	Proteína FLJ20035 hipotética (FLJ20035) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017630	Proteína FLJ20034 hipotética (FLJ20034) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017627	Proteína FLJ20030 hipotética (FLJ20030) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017626	Homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia B, miembro 12 (DNAJB12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017621	Proteína FLJ20013 hipotética (FLJ20013) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017618	Proteína FLJ20006 hipotética (FLJ20006) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017617	Proteína FLJ20005 hipotética (FLJ20005) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017615	Proteína FLJ20003 hipotética (FLJ20003) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018394	Proteína FLJ11342 hipotética (FLJ11342) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018393	Proteína FLJ11336 hipotética (FLJ11336) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018391	Proteína FLJ11328 hipotética (FLJ11328) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018389	Transportador 1 de GDP-fucosa (FLJ11320) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018388	Proteína FLJ11316 hipotética (FLJ11316) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018386	Proteína FLJ11305 hipotética (FLJ11305) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018383	Proteína FLJ11294 hipotética (FLJ11294) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018380	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 28 (DDX28) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018379	Proteína FLJ11280 hipotética (FLJ11280) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018376	Proteína FLJ11275 hipotética (FLJ11275) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018375	Proteína FLJ11274 hipotética (FLJ11274) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018374	Proteína FLJ11273 hipotética (FLJ11273) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018372	Proteína FLJ11269 hipotética (FLJ11269) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018370	Proteína FLJ11259 hipotética (FLJ11259) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018366	Proteína FLJ11230 hipotética (FLJ11230) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018365	Proteína FLJ11222 hipotética (FLJ11222) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018360	Proteína FLJ11209 hipotética (FLJ11209) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018359	Proteína FLJ11200 hipotética (FLJ11200) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018357	Proteína FLJ11196 hipotética (FLJ11196) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018356	Proteína FLJ11193 hipotética (FLJ11193) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018355	Proteína FLJ11191 hipotética (FLJ11191) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018351	Proteína FLJ11183 hipotética (FLJ11183) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018350	Proteína FLJ11181 hipotética (FLJ11181) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018349	Proteína FLJ11175 hipotética (FLJ11175) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018348	Proteína FLJ11171 hipotética (FLJ11171) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018346	Proteína FLJ11164 hipotética (FLJ11164) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018344	Proteína FLJ11160 hipotética (FLJ11160) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018343	Proteína FLJ11159 hipotética (FLJ11159) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018342	Proteína FLJ11155 hipotética (FLJ11155) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018338	Proteína FLJ11142 hipotética (FLJ11142) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018335	Proteína FLJ11132 hipotética (FLJ11132) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018329	Proteína FLJ11117 hipotética (FLJ11117) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018328	Proteína FLJ11113 hipotética (FLJ11113) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018326	Proteína FLJ11110 hipotética (FLJ11110) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_018324	Proteína FLJ1 1106 hipotética (FLJ11106) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018323	Proteína FLJ11105 hipotética (FLJ11105) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018321	Proteína FLJ11100 hipotética (FLJ11100) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018316	Proteína FLJ11078 hipotética (FLJ11078) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018314	Proteína FLJ11068 hipotética (FLJ11068) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018309	Proteína FLJ11046 hipotética (FLJ11046) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm.
NM_018308	Proteína FLJ11042 hipotética (FLJ11042) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018307	Proteína FLJ11040 hipotética (FLJ11040) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018306	Proteína FLJ11036 hipotética (FLJ11036) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018304	Proteína FLJ11029 hipotética (FLJ11029) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018302	Proteína FLJ11017 hipotética (FLJ11017) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018299	Proteína FLJ11011 hipotética (FLJ11011) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018297	Péptido:N-glucanasa similar a PNG1 (FLJ11005) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018296	Proteína FLJ11004 hipotética (FLJ11004) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018294	Proteína FLJ10998 hipotética (FLJ10998) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018292	Proteína FLJ10989 hipotética (FLJ10989) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018289	Proteína FLJ10979 hipotética (FLJ10979) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018288	Proteína FLJ10975 hipotética (FLJ10975) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018279	Proteína FLJ10936 hipotética (FLJ10936) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018275	Proteína FLJ10925 hipotética (FLJ10925) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018271	Proteína FLJ10916 hipotética (FLJ10916) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018264	Proteína FLJ10900 hipotética (FLJ10900) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018261	Tipo Sec3 (SEC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018260	Proteína FLJ10891 hipotética (FLJ10891) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018259	Proteína FLJ10890 hipotética (FLJ10890) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018250	Proteína FLJ10871 hipotética (FLJ10871) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018248	Proteína FLJ10858 hipotética (FLJ10858) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018247	Proteína FLJ10856 hipotética (FLJ10856) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018246	Proteína FLJ10853 hipotética (FLJ10853) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018243	Proteína FLJ10849 hipotética (FLJ10849) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018238	Proteína FLJ10842 hipotética (FLJ10842) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018235	Proteína FLJ10830 hipotética (FLJ10830) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018234	Proteína FLJ10829 hipotética (FLJ10829) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018231	Proteína FLJ10815 hipotética (FLJ10815) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018229	Proteína FLJ10813 hipotética (FLJ10813) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018228	Proteína FLJ10811 hipotética (FLJ10811) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018227	Proteína FLJ10808 hipotética (FLJ10808) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018224	Proteína FLJ10803 hipotética (FLJ10803) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018222	Parvina, alfa (PARVA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018221	Marco de lectura abierto 6 del cromosoma 2 (C2orf6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018216	Proteína FLJ10782 hipotética (FLJ10782) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018215	Proteína FLJ10781 hipotética (FLJ10781) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018214	Proteína LAP (repeticiones ricas en leucina y PDZ) y sin PDZ (LANO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018210	Proteína FLJ10769 hipotética (FLJ10769) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018208	Proteína FLJ10761 hipotética (FLJ10761) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018203	Proteína FLJ10748 hipotética (FLJ10748) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018201	Proteína FLJ10743 hipotética (FLJ10743) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018199	Proteína FLJ10738 hipotética (FLJ10738) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018198	Proteína FLJ10737 hipotética (FLJ10737) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018196	Épsilon-trimetilisina hidroxilasa (FLJ10727) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018195	Proteína FLJ10726 hipotética (FLJ10726) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018190	Proteína FLJ10715 hipotética (FLJ10715) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018189	Proteína FLJ10713 hipotética (FLJ10713) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018183	Proteína FLJ10701 hipotética (FLJ10701) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018182	Proteína FLJ10700 hipotética (FLJ10700) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018181	Proteína FLJ10697 hipotética (FLJ10697) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018176	Proteína FLJ10675 hipotética (FLJ10675) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018174	Marco de lectura abierto 5 del cromosoma 19 (C19orf5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018173	Proteína FLJ10665 hipotética (FLJ10665) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018172	Proteína FLJ10661 hipotética (FLJ10661) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018170	Proteína FLJ10656 hipotética (FLJ10656) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018168	Proteína FLJ10650 hipotética (FLJ10650) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018167	Proteína FLJ10648 hipotética (FLJ10648) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018166	Proteína FLJ10647 hipotética (FLJ10647) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018163	Proteína FLJ10634 hipotética (FLJ10634) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018157	Proteína FLJ10620 hipotética (FLJ10620) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018156	Proteína FLJ10619 hipotética (FLJ10619) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018155	Proteína FLJ10618 hipotética (FLJ10618) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018154	Proteína FLJ10604 hipotética (FLJ10604) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018150	Proteína FLJ10597 hipotética (FLJ10597) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018149	Proteína FLJ10587 hipotética (FLJ10587) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018148	Proteína FLJ10583 hipotética (FLJ10583) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018146	Proteína FLJ10581 hipotética (FLJ10581) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018145	Proteína FLJ10579 hipotética (FLJ10579) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018143	Proteína FLJ10572 hipotética (FLJ10572) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018140	Proteína FLJ10565 hipotética (FLJ10565) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018139	Proteína FLJ10563 hipotética (FLJ10563) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018138	Proteína FLJ10560 hipotética (FLJ10560) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018132	Proteína FLJ10545 hipotética (FLJ10545) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018130	Proteína FLJ10539 hipotética (FLJ10539) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018129	Proteína FLJ10535 hipotética (FLJ10535) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018128	Proteína FLJ10534 hipotética (FLJ10534) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018126	Proteína FLJ10525 hipotética (FLJ10525) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018125	Proteína FLJ10521 hipotética (FLJ10521) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018121	Proteína FLJ10512 hipotética (FLJ10512) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018118	Proteína FLJ10508 hipotética (FLJ10508) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018115	Proteína FLJ10498 hipotética (FLJ10498) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018113	Receptor de membrana que interacciona con lipocalina (LIMR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018111	Proteína FLJ10490 hipotética (FLJ10490) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018110	Proteína FLJ10488 hipotética (FLJ10488) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018109	Proteína FLJ10486 hipotética (FLJ10486) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018108	Proteína FLJ10483 hipotética (FLJ10483) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018105	Proteína FLJ10477 hipotética (FLJ10477) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018104	Proteína FLJ10474 hipotética (FLJ10474) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018096	Proteína hipotética similar a familia de beta-transducina (FLJ10458) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018095	Proteína FLJ10450 hipotética (FLJ10450) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018089	Proteína FLJ10415 hipotética (FLJ10415) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018088	Proteína FLJ10408 hipotética (FLJ10408) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018084	Proteína FLJ10392 hipotética (FLJ10392) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018083	Proteína de dedo de cinc 358 (ZNF358) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018082	Proteína FLJ10388 hipotética (FLJ10388) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018081	Proteína FLJ10385 hipotética (FLJ10385) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018080	Proteína FLJ10381 hipotética (FLJ10381) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_018077	Proteína FLJ10377 hipotética (FLJ10377) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018071	Proteína FLJ10357 hipotética (FLJ10357) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018068	Ortólogo probable de homólogo 1 tipo piwi de ratón tipo (<i>Drosophila</i>) (FLJ10351) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018067	Proteína FLJ10350 hipotética (FLJ10350) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018066	Proteína FLJ10349 hipotética (FLJ10349) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018065	Proteína FLJ10346 hipotética (FLJ10346) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018061	Proteína FLJ10330 hipotética (FLJ10330) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018056	Proteína FLJ10315 hipotética (FLJ10315) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018055	Proteína FLJ10314 hipotética (FLJ10314) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018048	Proteína FLJ10292 hipotética (FLJ10292) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018045	Proteína FLJ10276 hipotética (FLJ10276) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018042	Proteína FLJ10260 hipotética (FLJ10260) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018037	Proteína FLJ10244 hipotética (FLJ10244) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018036	Proteína FLJ10242 hipotética (FLJ10242) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018029	Proteína FLJ10213 hipotética (FLJ10213) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018027	Proteína FLJ10210 hipotética (FLJ10210) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018024	Proteína FLJ10204 hipotética (FLJ10204) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018022	Proteína FLJ10199 hipotética (FLJ10199) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018017	Proteína FLJ10188 hipotética (FLJ10188) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018014	CLL de linfocitos B/linfoma 11A (proteína de dedo de cinc) (BCL11A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018013	Proteína FLJ10159 hipotética (FLJ10159) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018012	Proteína FLJ10157 hipotética (FLJ10157) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018005	Proteína FLJ10139 hipotética (FLJ10139) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017998	Proteína FLJ10110 hipotética (FLJ10110) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017996	Proteína FLJ10103 hipotética (FLJ10103) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017986	Proteína FLJ10060 hipotética (FLJ10060) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017985	Proteína FLJ10058 hipotética (FLJ10058) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017984	Proteína FLJ10057 hipotética (FLJ10057) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017983	Proteína FLJ10055 hipotética (FLJ10055) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017982	Proteína FLJ10052 hipotética (FLJ10052) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017980	Proteína FLJ10044 hipotética (FLJ10044) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017977	Proteína FLJ10040 hipotética (FLJ10040) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017974	Proteína FLJ10035 hipotética (FLJ10035) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018410	Proteína DKFZp762E1312 hipotética (DKFZp762E1312) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018423	Proteína DKFZp761P1010 hipotética (DKFZp761P1010) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017597	Proteína DKFZp761K1824 hipotética (DKFZp761K1824) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018422	Proteína DKFZp761K1423 hipotética (DKFZp761K1423) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018421	Proteína DKFZp761D1823 hipotética (DKFZp761D1823) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017599	Proteína transmembrana vezatina (VEZATIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017594	Proteína DKFZp761C07121 hipotética (DKFZp761C07121) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017535	Proteína DKFZp566H0824 hipotética (DKFZp566H0824) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018705	Proteína DKFZp547G183 hipotética (DKFZp547G183) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017604	Proteína KIAA1023 (KIAA1023) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017559	Proteína DKFZp434H2215 hipotética (DKFZp434H2215) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017598	Proteína DKFZp434C0923 hipotética (DKFZp434C0923) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017577	Proteína DKFZp434C0328 hipotética (DKFZp434C0328) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014612	Proteína C9orf10 (C9orf10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018460	Proteína de médula ósea no caracterizada BM046 (BM046) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018459	Proteína de médula ósea no caracterizada BM045 (BM045) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018451	Proteína asociada a P4.1 centrosómica (CPAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018450	Proteína de médula ósea no caracterizada BM029 (BM029) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018674	Canal iónico sensible a ácido putativa (ASIC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017435	Familia de transportadores de solutos 21 (transportador de aniones orgánicos), miembro 14 (SLC21A14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016848	Shc neuronal (SHC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017432	Gen expresado en exceso en tumor de próstata 1 (PTOV1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016953	Fosfodiesterasa 11A (PDE11A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013242	Similar a Glt3 de ratón o factor de transcripción IIB de <i>D. melanogaster</i> (AF093680) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016267	TONDU (TONDU) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015859	Factor de transcripción general IIA, 1 (subunidades de 37 kD y 19 kD) (GTF2A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016271	Proteína STRIN (STRIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016584	Interleucina 23, subunidad alfa p19 (IL23A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016329	RU1 (RU1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016337	RNB6 (RNB6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016146	Proteína PTD009 (PTD009) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016145	Proteína PTD008 (PTD008) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016144	Proteína PTD002 (PTD002) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016147	Proteína fosfatasa metilesterasa-1 (PME-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016445	Homólogo de pleckstrina 2 (ratón) (PLEK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016170	Proteína NCX (NCX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016132	Factor de expresión de 2 gen de mielina (MEF-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016586	Proteína MBIP (MBIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016547	Precursor de proteína Cab45 de unión a calcio (Cab45) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016530	Proteína RAB-8b (LOC51762) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016442	Regulador de aminopeptidasa de desprendimiento de receptor de factor de necrosis tumoral tipo 1 (ARTS-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016438	Proteína CLST 11240 (CLST11240) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016340	Factor de intercambio de nucleótidos de guanina de rap (RA-GEF-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016306	Homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia B, miembro 11 (DNAJB11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016292	Proteína de choque térmico 75 (TRAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016248	Proteína de anclaje a cinasa A (PRKA) 11 (AKAP11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016207	Factor específico de escisión y poliadenilación 3, subunidad de 73 kD (CPSF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016163	Proteína relacionada con transporte vesicular (RA410) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016106	Proteína relacionada con transporte vesicular (RA410) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016081	Paladina (KIAA0992) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015934	Proteína nucleolar NOP5/NOP58 (NOP5/NOP58) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015925	Factor de transcripción de bHLH-Zip específico de hígado (LISCH7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015878	Inhibidor de antizima de ornitina descarboxilasa (OAZIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016284	Proteína KIAA1007 (KIAA1007) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016645	Proteína DSC92 de células madre mesenquimales (NEUGRIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016631	Marco de lectura abierto 66 del cromosoma 21 (C21orf66) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016576	GMPT2 para isólogo de guanosina monofosfato reductasa (LOC51292) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016501	Proteína FLJ10597 hipotética (FLJ10597) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016500	Proteína hipotética (LOC51260) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016487	Gen HSPC230 (HSPC230) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016480	Proteína 2 que interacciona con PABP (PAIP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016433	Proteína de transferencia de glucolípidos (GLTP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016369	Claudina 18 (CLDN18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016359	Proteína nucleolar ANKT (ANKT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016246	Deshidrogenasa/reductasa de cadena corta retinal retSDR3 (LOC51171) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016186	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado A (alfa-1 antiproteinasa, antitripsina), miembro 10 (SERPINA10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016180	Proteína AIM-1 (MATP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016176	Precursor de proteína de unión a calcio Cab45 (Cab45) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016174	Molécula de adhesión a células cerebrales (LOC51148) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016131	RAB10, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016031	Elongación de ácidos grasos de cadena muy larga tipo (FEN1/Elo2, SUR4/Elo3, levadura) 1 (ELOVL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015955	Proteína tipo C21orf19 (LOC51072) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015931	Fis485 (LOC51066) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015879	Sialiltransferasa 8C (alfa2,3Galbeta1,4GlcNAcalfa2,8-sialiltransferasa) (SIAT8C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016368	Mioinositol 1-fosfato sintasa A1 (ISYNA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016488	Proteína hipotética (HSPC232) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016478	Proteína hipotética (HSPC216) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016463	Proteína hipotética (HSPC195) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016410	Proteína HSPC177 hipotética (HSPC177) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016406	Proteína hipotética (HSPC155) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016401	Proteína hipotética (HSPC138) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016400	Proteína que interacciona con Huntingtina K (HYPK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016396	Proteína hipotética (HSPC129) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016391	Proteína hipotética (HSPC111) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015933	Proteína hipotética (HSPC016) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015932	Proteína hipotética (HSPC014) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016172	Relacionada con diferenciación celular de glioblastoma putativa (GDBR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016194	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), beta 5 (GNB5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016196	Producto génico de KIAA0682 (KIAA0682) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016553	Nucleoporina de 62 kD (NUP62) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016195	Fosfoproteína 1 de fase M (MPHOSPH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016550	Proteína que interacciona con cinasa dependiente de ciclina 2 de HeLa (CINP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016623	Proteína hipotética (BM-009) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016237	Subunidad de complejo promotor de anafase 5 (ANAPC5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016108	Proteína inducida por andrógenos (AIG-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014886	Proteína hipotética (YR-29) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014035	Proteína SBBI31 (SBBI31) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014868	Proteína de dedo de cinc 10 (RNF10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014092	Proteína PRO1575 (PRO1575) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014138	Proteína PRO0659 (PRO0659) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014135	Proteína PRO0641 (PRO0641) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014134	Proteína PRO0628 (PRO0628) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014133	Proteína PRO0618 (PRO0618) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014076	Proteína PRO0611 (PRO0611) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014074	Proteína PRO0529 (PRO0529) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014129	Proteína PRO0478 (PRO0478) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014126	Proteína PRO0365 (PRO0365) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014124	Proteína PRO0255 (PRO0255) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014121	Proteína PRO0233 (PRO0233) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014120	Proteína PRO0214 (PRO0214) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014118	Proteína PRO0159 (PRO0159) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014117	Proteína PRO0149 (PRO0149) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014116	Proteína PRO0132 (PRO0132) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015364	Proteína MD-2 (MD-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014020	Proteína LR8 (LR8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014931	Proteína KIAA1115 (KIAA1115) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014901	Proteína KIAA1100 (KIAA1100) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014908	Proteína KIAA1094 (KIAA1094) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014906	Proteína KIAA1072 (KIAA1072) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014932	Neurologina 1 (NLGN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014894	Proteína KIAA1056 (KIAA1056) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014956	Proteína KIAA1052 (KIAA1052) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014928	Proteína KIAA1046 (KIAA1046) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014909	Proteína KIAA1036 (KIAA1036) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014939	Proteína KIAA1012 (KIAA1012) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014895	Proteína KIAA1009 (KIAA1009) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014960	Proteína KIAA1001 (KIAA1001) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014950	Proteína KIAA0997 (KIAA0997) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014934	Proteína de dedo de cinc DZIP1 (DZIP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014023	Proteína KIAA0982 (KIAA0982) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014900	Proteína KIAA0977 (KIAA0977) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014929	Proteína KIAA0971 (KIAA0971) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014935	Proteína 2 de unión a fosfoinositol 3-fosfato (PEPP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014937	Inositol fosfatasa 2 que contiene dominio de Sac (SAC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014902	Proteína KIAA0964 (KIAA0964) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014898	Proteína KIAA0961 (KIAA0961) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014942	Dominio de repetición de anquirina 6 (ANKRD6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014959	Antagonista de caspasa nueve que contiene CARD regulado por incremento en tumores (TUCAN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014952	Proteína KIAA0945 (KIAA0945) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014904	Proteína KIAA0941 (Rab11-FIP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014903	Proteína KIAA0938 (KIAA0938) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014897	Proteína KIAA0924 (KIAA0924) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014883	Producto génico de KIAA0914 (KIAA0914) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014949	Proteína KIAA0907 (KIAA0907) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014896	Proteína KIAA0894 (KIAA0894) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014969	Proteína KIAA0893 (KIAA0893) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014966	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 30 (DDX30) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015377	Proteína KIAA0889 (KIAA0889) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014936	Ectonucleótido pirofosfatasa/fosfodiesterasa 4 (función putativa) (ENPP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014940	Proteína KIAA0872 (KIAA0872) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014943	Proteína KIAA0854 (KIAA0854) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014926	Proteína KIAA0848 (KIAA0848) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014945	Proteína KIAA0843 (KIAA0843) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014924	Proteína KIAA0831 (KIAA0831) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014703	Producto génico de KIAA0800 (KIAA0800) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014650	Producto génico de KIAA0798 (KIAA0798) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014660	Producto génico de KIAA0783 (KIAA0783) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014726	Producto génico de KIAA0775 (KIAA0775) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014690	Producto génico de KIAA0773 (KIAA0773) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014805	Producto génico de KIAA0766 (KIAA0766) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014869	Producto génico de KIAA0763 (KIAA0763) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014804	Producto génico de KIAA0753 (KIAA0753) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014632	Producto génico de KIAA0750 (KIAA0750) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014796	Producto génico de KIAA0748 (KIAA0748) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014719	Producto génico de KIAA0738 (KIAA0738) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014828	Producto génico de KIAA0737 (KIAA0737) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014849	Ortólogo probable de glucoproteína de vesícula sináptica de ratón 2a (SV2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014848	Homólogo de proteína de vesícula sináptica 2B (SV2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014718	Producto génico de KIAA0726 (KIAA0726) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014652	Importina 13 (IMP13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014867	Producto génico de KIAA0711 (KIAA0711) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014852	Producto génico de KIAA0682 (KIAA0682) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014663	Producto génico de KIAA0677 (KIAA0677) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014648	Producto génico de KIAA0675 (KIAA0675) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014779	Producto génico de KIAA0669 (KIAA0669) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014811	Producto génico de KIAA0649 (KIAA0649) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014817	Producto génico de KIAA0644 (KIAA0644) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015046	Proteína KIAA0625 (KIAA0625) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014694	Producto génico de KIAA0605 (KIAA0605) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014832	Producto génico de KIAA0603 (KIAA0603) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014749	Producto génico de KIAA0586 (KIAA0586) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014668	Producto génico de KIAA0575 (KIAA0575) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014709	Producto génico de KIAA0570 (KIAA0570) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014704	Producto génico de KIAA0562 (KIAA0562) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014790	Producto génico de KIAA0555 (KIAA0555) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014731	Producto génico de KIAA0552 (KIAA0552) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014793	Producto génico de KIAA0547 (KIAA0547) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014825	Marco de lectura abierto 108 del cromosoma 21 (C21orf108) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014840	Producto génico de KIAA0537 (KIAA0537) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014682	Producto génico de KIAA0535 (KIAA0535) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014851	Producto génico de KIAA0469 (KIAA0469) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014638	Producto génico de KIAA0450 (KIAA0450) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015556	Proteína KIAA0440 (KIAA0440) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014801	Producto génico de KIAA0435 (KIAA0435) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014772	Producto génico de KIAA0427 (KIAA0427) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014631	Producto génico de KIAA0418 (KIAA0418) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014702	Producto génico de KIAA0408 (KIAA0408) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014672	Producto génico de KIAA0391 (KIAA0391) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014717	Producto génico de KIAA0390 (KIAA0390) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014686	Producto génico de KIAA0355 (KIAA0355) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014872	Producto génico de KIAA0354 (KIAA0354) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014830	Producto génico de KIAA0352 (KIAA0352) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014636	Factor de intercambio RalGPS1A de nucleótidos de guanina de Ral (RALGPS1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014635	Producto génico de KIAA0336 (KIAA0336) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014803	Producto génico de KIAA0335 (KIAA0335) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014844	Producto génico de KIAA0329 (KIAA0329) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014821	Producto génico de KIAA0317 (KIAA0317) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014699	Producto génico de KIAA0296 (KIAA0296) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014742	Producto génico de KIAA0255 (KIAA0255) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014734	Producto génico de KIAA0247 (KIAA0247) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014760	Producto génico de KIAA0218 (KIAA0218) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014735	Producto génico de KIAA0215 (KIAA0215) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014630	Producto génico de KIAA0211 (KIAA0211) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014744	Producto génico de KIAA0210 (KIAA0210) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014725	Producto génico de KIAA0189 (KIAA0189) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014753	Producto génico de KIAA0187 (KIAA0187) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014791	Ortólogo probable de cinasa de cremallera de leucina embrionaria materna (KIAA0175) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014746	Producto génico de KIAA0161 (KIAA0161) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014633	Producto génico de KIAA0155 (KIAA0155) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014002	Cinasa épsilon relacionada con IKK; IkappaB cinasa inducible (IKKE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014847	Producto génico de KIAA0144 (KIAA0144) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014773	Producto génico de KIAA0141 (KIAA0141) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014649	Producto génico de KIAA0138 (KIAA0138) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014792	Producto génico de KIAA0125 (KIAA0125) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014999	Proteína KIAA0118 (KIAA0118) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014740	Producto génico de KIAA0111 (KIAA0111) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014673	Producto génico de KIAA0103 (KIAA0103) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014736	Producto génico de KIAA0101 (KIAA0101) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014669	Producto génico de KIAA0095 (KIAA0095) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014679	Producto génico de KIAA0092 (KIAA0092) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014769	Producto génico de KIAA0087 (KIAA0087) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014877	Helicasa KIAA0054 (KIAA0054) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014716	Centaurina, beta 1 (CENTB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015361	Que contiene dominio R3H (se une a ácidos nucleicos monocatenarios) (R3HDM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014880	Producto génico de KIAA0022 (KIAA0022) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014878	Producto génico de KIAA0020 (KIAA0020) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014665	Producto génico de KIAA0014 (KIAA0014) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014671	Ubiquitina-proteína isopéptido ligasa (E3) (KIAA0010) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014637	Producto génico de KIAA0009 (KIAA0009) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015384	Proteína IDN3 (IDN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014188	Proteína HSPC182 (HSPC182) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014187	Proteína HSPC171 (HSPC171) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014182	Proteína HSPC160 (HSPC160) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014178	Proteína HSPC156 (HSPC156) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014177	Proteína HSPC154 (HSPC154) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014176	Proteína HSPC150 Similar a enzima conjugadora de ubiquitina (HSPC150) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014173	Proteína HSPC142 (HSPC142) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014172	Proteína HSPC141 (HSPC141) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014171	Proteína postsináptica CRIPT (CRIPT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014169	Proteína HSPC134 (HSPC134) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014168	Proteína HSPC133 (HSPC133) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014167	Proteína HSPC128 (HSPC128) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014165	Proteína HSPC125 (HSPC125) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014163	Proteína HSPC073 (HSPC073) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014162	Proteína HSPC072 (HSPC072) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014159	Proteína que interacciona con Huntingtina B (HYPB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014158	Proteína HSPC067 (HSPC067) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014157	Proteína HSPC065 (HSPC065) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014152	Proteína HSPC054 (HSPC054) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014151	Proteína HSPC053 (HSPC053) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014148	Proteína HSPC048 (HSPC048) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014147	Proteína HSPC047 (HSPC047) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014041	Peptidasa señal 12 kDa (SPC12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014047	Proteína HSPC023 (HSPC023) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014028	Proteína HSPC019 (HSPC019) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014026	Proteína HSPC015 (HSPC015) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015362	Proteína HSPC002 (HSPC002) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015603	Proteína DKFZP586M1019 (DKFZP586M1019) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015537	Proteína DKFZP586J1624 (DKFZP586J1624) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015584	Proteína DKFZP586F1524 (DKFZP586F1524) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015677	Proteína hipotética (DKFZP586F1318) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015416	Proteína DKFZP586A011 (DKFZP586A011) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015513	Proteína DKFZP566D213 (DKFZP566D213) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015509	Proteína DKFZP566B183 (DKFZP566B183) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014042	Proteína DKFZP564M082 (DKFZP564M082) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015455	Proteína KIAA1194 (KIAA1194) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015601	Proteína DKFZP564G092 (DKFZP564G092) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014044	Proteína DKFZP564G0222 (DKFZP564G0222) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015658	Proteína DKFZP564C186 (DKFZP564C186) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015654	Proteína DKFZP564C103 (DKFZP564C103) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015535	Proteína DKFZP564A2416 (DKFZP564A2416) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014034	Proteína DKFZP547E2110 (DKFZP547E2110) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015607	Proteína DKFZP547E1010 (DKFZP547E1010) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_015594	Proteína DKFZP434O047 (DKFZP434O047) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015492	Proteína DKFZP434H132 (DKFZP434H132) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015515	Citoqueratina de filamento intermedio tipo I (HAIK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014064	Proteína AD-003 (AD-003) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014517	Proteína 1 de unión en la dirección 5' (LBP-1a) (UBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014294	Proteína de membrana que se asocia a cadena de translocación (TRAM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014305	DTDP-D-glucosa 4,6-deshidratasa (TDPGD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014300	Complejo de peptidasa señal (18 kD) (SPC18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014419	Gen soggy-1 (pendiente de DKKL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014445	Proteína 1 de retículo endoplásmico asociada a tensión; proteína 4 de membrana asociada a ribosoma (SERP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014329	Autoantígeno (RCD-8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014504	Homólogo de factor de intercambio de GDP/GTP de Rab5 putativo (RABEX5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014589	Fosfolipasa A2, grupo IIE (PLA2G2E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014471	Inhibidor de serina proteasa, tipo Kazal 4 (SPINK4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014891	Proteína 1 asociada a PDGFA (PDAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014308	Fosfoinosítido-3-quinasa, subunidad reguladora, polipéptido p101 (P101-PI3K) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014359	Opticina (OPTC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014515	Complejo de transcripción de CCR4-NOT, subunidad 2 (CNOT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014360	Homólogo 8 de NK-2 (<i>Drosophila</i>) (NKX2.8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014371	Vecino de proteína 95 de anclaje a A-quinasa (NAKAP95) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014342	Homólogo 2 de transportador mitocondrial (MTCH2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_015716	Proteína relacionada con Misshapen/NIK (MINK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014358	Lectina tipo C (dominio de reconocimiento de hidratos de carbono dependiente de calcio), miembro de superfamilia 9 (CLECSF9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014552	Proteína LBP 32 (LBP-32) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014247	Factor de intercambio de nucleótidos de guanina que contiene dominio PDZ (GEF) 1 (PDZ-GEF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014267	Proteína ácida pequeña (IMAGE145052) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014597	ARNm de proteína ácida de 82 kDa (HSU15552) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014254	Proteína transmembrana 5 (TMEM5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014362	3-Hidroxiisobutiril-Coenzima A hidrolasa (HIBCH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014365	Proteína cinasa H11 (H11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014584	Tipo ERO1 (<i>S. cerevisiae</i>) (ERO1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014367	Proteína hipotética, inducida por estradiol (E2IG5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014366	Proteína de unión a nucleótidos putativos, inducida por estradiol (E2IG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014380	Proteína asociada a receptor de factor de crecimiento nervioso (TNFRSF16) 1 (NGFRAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014890	Regulada de forma nativa en cáncer de ovario 1 (DOC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014595	5' nucleotidasa, desoxi (pirimidina), tipo citosólico C (NT5C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014316	Proteína estable frente a calor regulada por calcio (24 kD) (CRHSP-24) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014430	Efactor b tipo DFFA inductor de muerte celular (CIDEb) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014400	Homólogo de proteína asociada a metástasis anclada a GPI (C4.4A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014408	Similar a BET3 de levadura (<i>S. cerevisiae</i>) (BET3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014374	Proteína de región de inicio de la replicación (60 kD) (RIP60) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013943	Canal intracelular de cloruro 4 (CLIC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013433	Carioferina beta 2b, transportina (TRN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013435	Proteína de caja homeótica retinal (RX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013377	Proteína hipotética (DKFZp434B0417) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012297	Proteína 2 de unión a domino SH3 de proteína activadora de Ras-GTPasa (KIAA0660) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013286	Secuencia génica del cromosoma 3p21.1 (HUMAGCGB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012472	Proteína de repetición rica en leucina específica de testículo (TSLRP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012119	Cinasa relacionada con ciclo celular (CCRK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013266	Proteína tipo catenina alfa (VR22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013346	Nexina de clasificación 12 (SNX12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013322	Nexina de clasificación 10 (SNX10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013400	Proteína de región de inicio de la replicación (60 kD) (RIP60) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013355	Proteína cinasa PKNbeta (Pknbeta) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013240	N6-ADN-metiltransferasa putativa (N6AMT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013364	Antígeno paraneoplásico de cáncer-testículo-cerebro (MA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_013275	Proteína de susceptibilidad a carcinoma nasofaríngeo (LZ16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013312	Proteína hook2 (HOOK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013332	Proteína inducible por hipoxia 2 (HIG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013308	Homólogo del receptor activador de plaquetas (H963) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013394	Proteína tipo factor de crecimiento de fibroblastos ácido (GLIO703) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013329	Marco de lectura abierto 66 del cromosoma 21 (C21orf66) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013333	Fosfoproteína mitótica de unión a dominio EH (EPSIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013395	Proteína x0008 (AD013) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012463	Proteína TJ6 (TJ6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012461	Factor 2 nuclear que interacciona con TERF1 (TRF1) (TINF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012245	Proteína que interacciona con SKI (SNW1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012437	Proteína esnapina asociada a SNARE (SNAPAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012433	Factor de corte y empalme 3b, subunidad 1, 155 kD (SF3B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012431	Domino sema, dominio de inmunoglobulina (Ig), dominio básico corto, secretado, (semaforina) 3E (SEMA3E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012234	Proteína de unión a RING1 y YY1 (RYBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012420	Proteína inducible por interferón y ácido retinoico (58 kD) (RI58) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012417	Degeneración retinal B beta (RDGBB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012229	5'-Nucleotidasa (purina), tipo citosólico B (NT5B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012390	Proteína homóloga a proteína rica en prolina salival P-B (PBI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012346	Nucleoporina 62 kD (NUP62) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012339	Miembro de la superfamilia transmembrana 4 (tetradominio NET-7) (NET-7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012338	Miembro de la superfamilia transmembrana 4 (tetradominio NET-2) (NET-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012332	Acil-CoA Tioesterasa Mitocondrial (MT-ACT48) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012327	Glucano de fosfatidilinositol clase N (PIGN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012321	Proteína tipo Sm asociada a ARNnc U6 (LSM4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012294	Factor de intercambio de nucleótidos de guanina para Rap1; GEF regulado por M-Ras (KIAA0277) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012289	Proteína 1 asociada a ECH tipo Kelch (KIAA0132) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_012285	Canal regulado por tensión de potasio, subfamilia H (relacionada con eag) miembro 4 (KCNH4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012267	Proteína que interacciona con hsp70 (HSPBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012266	Homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia B, miembro 5 (DNAJB5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012260	2-Hidroxifitanoil-CoA liasa (HPCL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012204	Factor de transcripción general IIIC, polipéptido 4 (90 kD) (GTF3C4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012086	Factor de transcripción general IIIC, polipéptido 3 (102 kD) (GTF3C3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012155	EMAP de equinodermo tipo proteína asociada a microtúbulos (EMAP-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012123	Proteína CGI-02 (CGI-02) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012097	Tipo factor de ribosilación de ADP 5 (ARL5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005028	Fosfatidilinositol-4-fosfato 5-cinasa, tipo II, alfa (PIP5K2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006869	Centaurina, alfa 1 (CENTA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007362	Subunidad de proteína de unión a recubrimiento nuclear 2, 20 kD (NCBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007358	Proteína de unión a ADN putativa (M96) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007344	Factor de terminación de la transcripción, ARN polimerasa I (TTF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007369	Receptor acoplado a proteína G (RE2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005176	ATP sintasa, transporte de H ⁺ , complejo de F0 mitocondrial, subunidad c (subunidad 9), isoforma 2 (ATP5G2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007347	Complejo proteico relacionado con adaptador 4, subunidad épsilon 1 (AP4E1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002673	Plexina B1 (PLXNB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007034	Homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia B, miembro 4 (DNAJB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004547	Subcomplejo 1 beta de NADH deshidrogenasa (ubiquinona), 4 (15 kD, B15) (NDUFB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007180	Trehalasa (glucoproteína de membrana de borde en cepillo) (TREH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007115	Factor de necrosis tumoral, proteína inducida por alfa 6 (TNFAIP6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007217	Muerte celular programada 10 (PDCD10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007269	Proteína de unión a syntaxina 3 (STXBP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007107	Receptor de secuencia señal, gamma (proteína gamma asociada a translocón) (SSR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007282	Proteína de dedo anular 13 (RNF13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007265	Supresor de gcr2 de <i>S. cerevisiae</i> (HSGT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_007223	Receptor acoplado a proteína G putativa (GPR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007192	Factor de elongación de la transcripción específico de cromatina, subunidad de 140 kDa (FACTP140) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007263	Complejo proteico de coatómero, subunidad épsilon (COPE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007005	Proteína BCE-1 (BCE-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007019	Enzima conjugadora de ubiquitina E2C (UBE2C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007064	Serina/treonina cinasa con dominios de homología de Dbp y pleckstrina (TRAD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_007062	Fosfoproteína nuclear similar a PWP1 de <i>S. cerevisiae</i> (PWP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007080	Proteína Sm F (LSM6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007072	HERV-H que se asocia con LTR 2 (HHLA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007077	Complejo proteico relacionado con adaptador 4, subunidad sigma 1 (AP4S1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006751	Antígeno específico de esperma 2 (SSFA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006748	Adaptador tipo Src (SLA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006851	Proteína relacionada con patogénesis de glioma (RTVP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006815	Proteína de membrana de vesícula revestida (RNP24) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006741	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora (inhibidora) 1A (PPP1R1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006823	Inhibidor alfa de proteína cinasa (dependiente de AMPc, catalítica) (PKIA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006825	Proteína asociada a citoesqueleto 4 (CKAP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006833	Subunidad de COP9 6 (homólogo de MOV34, 34 kD) (MOV34-34 KD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006838	Metionina aminopeptidasa 2 (METAP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006634	Proteína de membrana asociada a vesícula 5 (miobrevina) (VAMP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006676	Proteasa específica de ubiquitina 20 (USP20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006662	Proteína activadora de CBP relacionada con Snf2 (SRCAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006692	Proteína de unión a ADN que amplifica la expresión de proteína B surfactante (SPBPBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006590	Homólogo defectuoso en ensamblaje de SnRNP 1 (SAD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006695	Proteína que interacciona con RaP2 8 (RPIP8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006663	Inhibidor asociado a RelA (RAI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006570	Proteína de unión a GTP relacionada con Ras (RAGA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002721	Proteína fosfatasa 6, subunidad catalítica (PPP6C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006627	Homólogo de POP4 (procesamiento de precursor, <i>S. cerevisiae</i>) (POP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006580	Claudina 16 (CLDN16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006648	Antígeno de cáncer de colon definido de forma serológica 43 (SDCCAG43) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006681	Neuromedina U (NMU) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006554	Metaxina 2 (MTX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006609	Proteína cinasa cinasa cinasa activada por mitógeno 2 (MAP3K2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004274	Proteína de anclaje a A cinasa (PRKA) 6 (AKAP6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006633	Proteína activadora de GTPasa que contiene motivo IQ 2 (IQGAP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006548	Proteína de unión a ARNm de IGF-II 2 (IMP-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006644	Choque térmico 105 kD (HSP105B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006543	Carcinoma hepatocelular Mahlavu (HHCM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006540	Coactivador del receptor nuclear 2 (NCOA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006578	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), beta 5 (GNB5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006550	Proteína de unión a silenciador de fibrinógeno (FSBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006678	Receptor tipo inmunoglobulina de leucocitos CMRF35 (CMRF35) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006569	Reguladora de crecimiento celular con dominio de mano EF (CGR11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006584	Chaperonina que contiene TCP1, subunidad 6B (zeta 2) (CCT6B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006538	Tipo BCL2 11 (facilitador de apoptosis) (BCL2L11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006628	Fosfoproteína de AMP cíclico, 19 kD (ARPP-19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006370	Receptor de proteína de unión a NSF soluble asociada a vesícula (v-SNARE; homólogo de <i>S. cerevisiae</i> VT11) (VTI2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006354	Adaptador transcripcional 3 tipo (ADA3, homólogo de levadura) (complejo de histona acetilasa PCAF) (TADA3L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006456	Sialiltransferasa (STHM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006409	Complejo proteico 2/3 relacionado con actina, subunidad 1A (41 kD) (ARPC1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006279	Sialiltransferasa 6 (N-acetilglucosaminidasa alfa 2,3-sialiltransferasa) (SIAT6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006142	Estratifina (SFN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006455	Autoantígenos nucleolar (55 kD) similar a proteína del complejo sinaptonémico de rata (SC65) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006414	Ribonucleasa P (38 kD) (RPP38) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006413	Ribonucleasa P (30 kD) (RPP30) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006423	Aceptor de Rab 1 (prenilado) (RABAC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006239	Proteína fosfatasa, domino de unión a calcio de mano EF 2 (PPEF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006230	Polimerasa (dirigida a ADN), delta 2, subunidad reguladora (50 kD) (POLD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006156	Regulada por disminución por el desarrollo, expresada en células precursoras neurales 8 (NEDD8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006369	Proteína MUF1 (MUF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006441	5,10-Meteniltetrahydrofolato sintetasa (5-formiltetrahydrofolato ciclo-ligasa) (MTHFS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006309	Proteína que interacciona con repetición rica en leucina (en FLII) 2 (LRRFIP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006330	Lisofosfolipasa I (LYPLA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006344	Lectina de macrófago 2 (dependiente de calcio) (HML2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006395	Proteína tipo activadora de ubiquitina E1 (GSA7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006322	Proteína de núcleo polar del uso (GCP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006141	Polipéptido intermedio ligero, citoplásmico, de dineína 2 (DNCL12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006416	Familia de transportadores de solutos 35 (transportador de ácido siálico CMP), miembro 1 (SLC35A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006349	Proteína que interacciona con ciclina G1 putativa (CG1I) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006429	Chaperonina que contiene TCP1, subunidad 7 (eta) (CCT7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006430	Chaperonina que contiene TCP1, subunidad 4 (delta) (CCT4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006431	Chaperonina que contiene TCP1, subunidad 2 (beta) (CCT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002810	Subunidad 26S del proteasoma (prosome, macropaina), no ATPasa, 4 (PSMD4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006002	Ubiquitina del extremo carboxilo de esterasa L3 (ubiquitina tiolesterasa) (UCHL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006068	Receptor tipo toll 6 (TLR6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006100	Alfa 2,3-sialiltransferasa (ST3GALVI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006061	Proteína granular específica (28 kDa) (SGP28) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006063	Proteína muscular sarcomérica (SARCOSIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006076	Relacionada con proteína de unión a dominio de activación Rev/Rex (RAB-R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006034	Proteína inducida por p53 (PIG11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006039	Receptor endocítico (familia del receptor de manosa de macrófagos) (KIAA0709) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006018	Receptor de quimiocina putativa; proteína de unión a GTP (HM74) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006101	Repeticiones de héptadas ricas en leucina, altamente expresadas en cáncer (HEC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006098	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), tipo polipéptido 2 beta 1 (GNB2L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005895	Autoantígeno del golgi, subfamilia de golgina a, 3 (GOLGA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006023	Producto génico de D123 (D123) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006090	Colina/etanolaminafosfotransferasa (CEPT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005822	Tipo gen 1 de región crítica de síndrome de Down 1 (DSCR1L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005827	Relacionada con transportador de UDP-galactosa (UGTREL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005725	Tetradominio 2 (TSPAN-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005879	Proteína que interacciona con TRAF (TRIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005816	Activación de linfocitos T, expresión tardía aumentada (TACTILE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005843	Molécula adaptadora transductora de señal (domino SH3 y motivo ITAM) 2 (STAM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_005636	Sarcoma sinovial, punto de rotura 4 de X (SSX4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005775	Vinexina beta (molécula adaptadora que contiene SH31) (SCAM-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005785	Proteína hipotética SBB103 (SBB103) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005862	Antígeno del estroma 1 (STAG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005619	Reticulón 2 (RTN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005615	Ribonucleasa, familia de RNasa A, k6 (RNASE6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005771	Homólogo de retinol deshidrogenasa (RDHL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005833	Efactor p40 de Rab9 (RAB9P40) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005687	Subunidad beta de fenilalanil-ARNt sintetasa (PheHB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005605	Proteína fosfatasa 3 (anteriormente 2B), subunidad catalítica, isoforma gamma (calcineurina A gamma) (PPP3CC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005796	Factor de transporte nuclear 2 (proteína placentaria 15) (PP15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005742	Proteína relacionada con proteína disulfuro isomerasa (P5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005824	Proteína de repetición rica en leucina de 37 kDa (LRR) (P37NB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005861	Proteína que contiene homología con STIP1 y caja U1 (STUB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005601	Secuencia de grupo 7 de células citolíticas naturales (NKG7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005831	Proteína de dominio nuclear 10 (NDP52) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005511	Melan-A (MLANA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005575	Leucil/cistinil aminopeptidasa (LNPEP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005794	Miembro de la familia de alcohol deshidrogenasa de cadena corta (HEP27) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005769	Hidrato de carbono (N-acetilglucosamina 6-O) sulfotransferasa 4 (CHST4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005828	Proteína de repetición de WD (HAN11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005804	ARN helicasa nuclear, variante DECD de familia de caja DEAD (DDXL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005505	Tipo antígeno CD36 (receptor de colágeno tipo I, receptor de trombospondina) 1 (CD36L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005760	Factor de transcripción de unión a caja CCAAT (CBF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005795	Tipo receptor de calcitonina (CALCRL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005720	Complejo proteico 2/3 relacionado con actina, subunidad 1B (41 kD) (ARPC1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005876	Proteína nuclear, marcador para músculo liso aórtico diferenciado y regulado de forma negativa con lesión vascular (APEG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001540	Proteína de choque térmico de 27 kD 1 (HSPB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005481	Proteína asociada a receptor de hormona tiroidea, subunidad de 95 kD (TRAP95) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005449	Regulador de apoptosis inducida por Fas (TOSO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005480	Proteína asociada a trofinina (tastina) (TROAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005419	Transductor de señal y activador de la transcripción 2, 113 kD (STAT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005500	Subunidad 1 de enzima activadora de SUMO-1 (SAE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005400	Proteína cinasa C, épsilon (PRKCE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005391	Piruvato deshidrogenasa cinasa, isoenzima 3 (PDK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005494	Homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia B, miembro 6 (DNAJB6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005466	Mediador de regulación de la transcripción de ARN polimerasa II (Med6, <i>S. cerevisiae</i> , homólogo de) (MED6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005310	Proteína unida a receptor de factor de crecimiento 7 (GRB7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005497	Proteína de unión comunicante, alfa 7,45 kD (conexina 45) (GJA7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005175	ATP sintasa, transporte de H ⁺ , complejo F0 mitocondrial, subunidad c (subunidad 9), isoforma 1 (ATP5G1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003418	Proteína de dedo de cinc 9 (una proteína de unión a ácido nucleico retroviral celular) (ZNF9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005151	Proteasa específica de ubiquitina 14 (ARNT-guanina transglucosilasa) (USP14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005119	Proteína asociada a receptor de hormona tiroidea, subunidad de 150 kDa (TRAP 150) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005071	Familia de transportadores de solutos 1 (transportador de aspartato/glutamato de alta afinidad), miembro 6 (SLC1A6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005047	Subunidad 26S de proteasoma (prosome, macropaina), no ATPasa, 5 (PSMD5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_005134	Proteína fosfatasa 4, subunidad reguladora 1 (PPP4R1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_005033	Autoantígenos de poliomiositis/esclerodermia 1 (75 kD) (PMSCL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005025	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado I (neuroserpina), miembro 1 (SERPINI1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005023	Proteína geranilgeraniltransferasa tipo I, subunidad beta (GGT1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005020	Fosfodiesterasa 1C, dependiente de calmodulina (70 kD) (PDE1C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005017	Fosfato citidililtransferasa 1, colina, isoforma alfa (PCYT1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005131	Proteína de matriz nuclear p84 (P84) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005101	Proteína estimulada por interferón, 15 kDa (ISG15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005122	Subfamilia del receptor nuclear 1, grupo I, miembro 3 (NR1I3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004666	Vanina 1 (VNN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004247	Proteína específica de RNPnc U5, 116 kD (U5-116 KD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004704	Proteína de 55 kDa asociada a RNPnc U3 (U3-55K) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004786	Tipo tiorredoxina, 32 kD (TXNL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004257	Proteína asociada a receptor beta TGF 1 (TRAP-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004620	Factor asociado a receptor de TNF 6 (TRAF6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004604	Sintaxina 4A (placentaria) (STX4A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004785	Familia de transportadores de soluto 9 (intercambiador de sodio/hidrógeno), factor regulador 2 de isoforma 3 (SLC9A3R2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004252	Familia de transportadores de soluto 9 (intercambiador sodio/hidrógeno), factor regulador 1 de isoforma 3 (SLC9A3R1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004694	Familia de transportadores de soluto 16 (transportadores de ácido monocarboxílico), miembro 6 (SLC16A6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004696	Familia de transportadores de soluto 16 (transportadores de ácido monocarboxílico), miembro 4 (SLC16A4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004263	Dominios sema, dominio de inmunoglobulina (Ig), dominio transmembrana (TM) y dominio citoplásmico corto, (semaforina) 4F (SEMA4F) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004868	Glucoproteína, sináptica 2 (GPSN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004844	Proteína de unión a dominio SH3 5 (asociada a BTK) (SH3BP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004703	Rabaptina-5 (RAB5EP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004249	RAB28, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB28) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004218	RAB11B, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB11B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004676	Tipo pTPN13, ligada a Y (PRY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004726	Que contiene dominio Eps asociado con RALBP1 2 (REPS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004881	Homólogo de quinona óxido reductasa (PIG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004671	Inhibidor proteico de STAT X activada (PIASX-BETA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004565	Factor de biogénesis peroxisómica 14 (PEX14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004845	Fosfato citidililtransferasa 1, colina, isoforma beta (PCYT1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004563	Fosfoenolpiruvato carboxicinas 2 (mitocondrial) (PCK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004800	Miembro 2 de la superfamilia transmembrana 9 (TM9SF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004556	Factor nuclear de potenciador de gen de polipéptido ligero kappa en inhibidor de linfocitos B, épsilon (NFKBIE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004647	Homólogo de Neuro-d4 (rata) (NEUD4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004546	Subcomplejo 1 beta de NADH deshidrogenasa (ubiquinona), 2 (8 kD, AGGG) (NDUFB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004545	Subcomplejo 1 beta de NADH deshidrogenasa (ubiquinona), 1 (7 kD, MNLL) (NDUF1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004542	Subcomplejo 1 alfa de NADH deshidrogenasa (ubiquinona), 3 (9 kD, B9) (NDUFA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004544	Subcomplejo 1 alfa de NADH deshidrogenasa (ubiquinona), 10 (42 kD) (NDUFA10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004784	N-desacetilasa/N-sulfotransferasa (heparán glucosaminilo) 3 (NDST3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004901	Tipo apirasa isosómica 1 (LYSAL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004798	Miembro 3B de la familia de quinesina (KIF3B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004515	Factor de unión a potenciador de interleucina 2, 45 kD (ILF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004838	Gen temprano inmediato neuronal, Homer, 3 (HOMER-3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004854	HNK-1 sulfotransferasa (HNK-1ST) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004488	Glucoproteína V (plaqueta) (GP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004485	Proteína de unión a nucleótidos de guanina 4 (GNG4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004122	Receptor de secretagogo de hormona del crecimiento (GHSR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004479	Fucosiltransferasa 7 (alfa (1,3) fucosiltransferasa) (FUT7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004438	EphA4 (EPHA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004094	Factor de inicio de la traducción eucariota 2, subunidad 1 (alfa, 35 kD) (EIF2S1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004681	Factor de inicio de la traducción eucariota 1A, cromosoma Y(EIF1AY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004226	Serina/treonina cinasa 17b (inductora de apoptosis) (STK17B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004792	Peptidil-prolil isomerasa G (ciclofilina G) (PPIG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004831	Cofactor requerido para activación transcripcional de Sp1, subunidad 7 (70 kD) (CRSP7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004269	Cofactor requerido para activación transcripcional de Sp1, subunidad 8 (34 kD) (CRSP8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004270	Cofactor requerido para activación transcripcional de Sp1, subunidad 9 (33 kD) (CRSP9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004232	Inhibidor de STAT 4 inducido por STAT (CIS4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004882	Co-represor que interacciona con CBF1 (CIR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004198	Receptor colinérgico, nicotínico, polipéptido alfa 6 (CHRNA6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004825	Proteína de cromodominio, cromosoma Y, 2 (CDY2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004351	Secuencia transformante retroviral ectrópica de Cas-Br-M (murina) b (CBLB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004054	Receptor 1 de componente del complemento 3a (C3AR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004899	(modulador de TNFRSF1A) expresado en órganos reproductores y cerebro (BRE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004889	ATP sintasa, transporte de H ⁺ , complejo F0 mitocondrial, subunidad f, isoforma 2 (ATP5J2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004890	Antígeno asociado a esperma 7 (SPAG7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004908	Proteína asociada con prelinfocitos T/NK (6H9A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003406	Proteína de activación de tirosina 3-monooxigenasa/triptófano 5-monooxigenasa, polipéptido zeta (YWHAZ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003574	Proteína asociada a VAMP (proteína de membrana asociada a vesícula) A (33 kD) (VAPA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001073	Familia de UDP glucosiltransferasa 2, polipéptido B11 (UGT2B11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003300	Factor asociado a receptor de TNF 3 (TRAF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003297	Subfamilia de receptor nuclear 2, grupo C, miembro 1 (NR2C1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003212	Factor de crecimiento derivado de teratocarcinoma 1 (TDGF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003763	Sintaxina 16 (STX16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003955	Inhibidor de STAT inducido por STAT 3 (SSI-3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003693	Receptor de acetil LDL; SREC=receptor eliminador expresado por células endoteliales (SREC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003563	Proteína POZ tipo speckle (SPOP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003578	Esterol O-aciltransferasa 2 (SOAT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003099	Nexina de clasificación 1 (SNX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003095	Polipéptido de ribonucleoproteína nuclear pequeño F (SNRPF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003091	Polipéptidos de ribonucleoproteína nuclear pequeño B y B1 (SNRPB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003086	Complejo activador de ARN nuclear pequeño, polipéptido 4, 190 kD (SNAPC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003084	Complejo activador de ARN nuclear pequeño, polipéptido 3, 50 kD (SNAPC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003825	Proteína asociada a esnaptosoma, 23 kD (SNAP23) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003983	Familia de transportadores de soluto 7 (transportador de aminoácidos catiónicos, sistema y+), miembro 6 (SLC7A6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003916	Complejo proteico relacionado con adaptador 1, subunidad sigma 2 (AP1S2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003896	Sialiltransferasa 9 (CMP-NeuAc:lactosilceramida alfa-2,3-sialiltransferasa; GM3 sintasa) (SIAT9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003769	Factor de corte y empalme, rico en arginina/serina 9 (SFRS9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003016	Factor de corte y empalme, rico en arginina/serina 2 (SFRS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003161	Proteína S6 cinasa ribosómica, 70 kD, polipéptido 1 (RPS6KB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003708	Retinol deshidrogenasa 4 dependiente de NAD+ microsómica (RODH-4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002933	Ribonucleasa, familia de RNasa 1 (pancreática) (RNASA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002919	Factor regulador X, 3 (influye en la expresión del HLA de clase II) (RFX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002865	RAB2, miembro de familia oncogénica RAS (RAB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002849	Proteína tirosina fosfatasa, tipo receptor, R (PTPRR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002822	Proteína tirosina cinasa 9 (PTK9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002812	Subunidad 26S de proteasoma (prosome, macropaina), no ATPasa, 8 (PSMD8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002808	Subunidad 26S de proteasoma (prosoma, macropaina), no ATPasa, 2 (PSMD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002816	Subunidad 26S de proteasoma (prosoma, macropaina), no ATPasa, 12 (PSMD12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002814	Subunidad 26S de proteasoma (prosoma, macropaina), no ATPasa, 10 (PSMD10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002789	Subunidad de proteasoma (prosoma, macropaina), tipo alfa, 4 (PSMA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002787	Subunidad de proteasoma (prosoma, macropaina), tipo alfa, 2 (PSMA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000951	Polipéptido Gla (ácido G-carboxilglutámico) rico en prolina 2 (PRRG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000950	Polipéptido Gla (ácido G-carboxilglutámico) rico en prolina 1 (PRRG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002750	Proteína cinasa activada por mitógeno 8 (MAPK8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003981	Regulador proteico de citocinesis 1 (PRC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002717	Proteína fosfatasa 2 (anteriormente 2A), subunidad reguladora B (PR 52), isoforma alfa (PPP2R2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002707	Proteína fosfatasa 1G (anteriormente 2C), dependiente de magnesio, isoforma gamma (PPM1G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003620	Proteína fosfatasa 1D dependiente de magnesio, isoforma delta (PPM1D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003625	Proteína que interacciona con tirosina fosfatasa, tipo receptor, polipéptido f (PTPRF), (liprina), alfa 2 (PPFIA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002698	Dominio POU, clase 2, factor de transcripción 2 (POU2F2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002687	Pinina, proteína asociada a desmosoma (PNN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003662	Pirina (PIR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002647	Fosfoinosítido-3-cinasa, clase 3 (PIK3C3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000286	Factor de biogénesis de peroxisoma 12 (PEX12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002861	Fosfato citidililtransferasa 2, etanolamina (PCYT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002567	Proteína de unión prostática (PBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003899	Factor de intercambio de nucleótidos de guanina Rho (GEF) 7 (ARHGEF7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002563	Receptor purinérgico P2Y, acoplado a proteína G, 1 (P2RY1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000913	Tipo receptor de opiáceos 1 (OPRL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002493	Subcomplejo 1 beta de NADH deshidrogenasa (ubiquinona), 6 (17 kD, B17) (NDUFB6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002492	Subcomplejo 1 beta de NADH deshidrogenasa (ubiquinona), 5 (16 kD, SGD) (NDUFB5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002489	Subcomplejo 1 alfa de NADH deshidrogenasa (ubiquinona), 4 (9 kD, MLRO) (NDUFA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003684	Serina/treonina cinasa 1 que interacciona con MAP cinasa (MKNK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003784	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado B (albúmina de huevo), miembro 7 (SERPINB7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002333	Proteína relacionada con receptor de lipoproteína de baja densidad 3 (LRP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002285	Proteína nuclear linfóide relacionada con AF4 (LAF4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002213	Integrina, beta 5 (ITGB5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003971	Antígeno asociado a espermatozoides 9 (SPAG9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002157	Proteína de choque térmico de 10 kD 1 (chaperonina 10) (HSPE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001521	Factor de transcripción general IIIC, polipéptido 2 (subunidad beta, 110 kD) (GTF3C2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001516	Factor de transcripción general IIH, polipéptido 3 (subunidad de 34 kD) (GTF2H3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003910	Transcrito de G10 materno (G10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001969	Factor de inicio de la traducción eucariota 5 (EIF5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003751	Factor de inicio de la traducción eucariota 3, subunidad 9 (eta, 116 kD) (EIF3S9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003755	Factor de inicio de la traducción eucariota 3, subunidad 4 (delta, 44 kD) (EIF3S4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003756	Factor de inicio de la traducción eucariota 3, subunidad 3 (gamma, 40 kD) (EIF3S3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001414	Factor de inicio de la traducción eucariota 2B, subunidad 1 (alfa, 26 kD) (EIF2B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001412	Factor de inicio de la traducción eucariota 1A (EIF1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003566	Antígeno de endosoma temprano 1, 162 kD (EEA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001957	Receptor de endotelina tipo A (EDNRA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001936	Dipeptidilpeptidasa VI (DPP6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003648	Diacilglicerol cinasa, delta (130 kD) (DG KD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001921	DCMP desaminasa (DCTD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003590	Culina 3 (CUL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003592	Culina 1 (CUL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001207	Factor de transcripción básico 3 (BTF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001191	Tipo BCL2 1 (BCL2L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001689	ATP sintasa, transporte de H ⁺ , complejo F0 mitocondrial, subunidad c (subunidad 9) isoforma 3 (ATP5G3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001688	ATP sintasa, transporte de H ⁺ , complejo F0 mitocondrial, subunidad b, isoforma 1 (ATP5F1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_003664	Complejo proteico relacionado con adaptador 3, subunidad beta 1 (AP3B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058168	Gen expresado de forma diferencial en próstata (GDEP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058222	Beta tectorina (TECTB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058192	Tipo pseudoridina sintasa C de subunidad ribosómica grande (RLUCL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058190	Marco de lectura abierto 70 del cromosoma 21 (C21orf70) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058189	Marco de lectura abierto 69 del cromosoma 21 (C21orf69) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058186	Marco de lectura abierto 11 del cromosoma 21 (C21orf11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058184	Marco de lectura abierto 42 del cromosoma 21 (C21orf42) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058182	Marco de lectura abierto 51 del cromosoma 21 (C21orf51) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058180	Marco de lectura abierto 58 del cromosoma 21 (C21orf58) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058173	Mucina epitelial de mama pequeña (LOC118430) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058172	Proteína de morfogénesis capilar 2 (CMG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017884	Proteína que interacciona con PIN2 1 (PINX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_054021	Receptor acoplado a proteína G 101 (GPR101) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053280	H-Shippo 1 (LOC113746) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003449	Que contiene motivo tripartito 26 (TRIM26) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052939	Proteína tipo receptor Fc 3 (FCRH3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052938	Proteína tipo receptor Fc 1 (FCRH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052872	Interleucina 17F (IL17F) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024011	Tipo ciclo de división celular 2 2 (CDC2L2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033621	Tipo ciclo de división celular 2 2 (CDC2L2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 10, ARNm
NM_033537	Tipo ciclo de división celular 2 2 (CDC2L2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 9, ARNm
NM_033536	Tipo ciclo de división celular 2 2 (CDC2L2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 8, ARNm
NM_033534	Tipo ciclo de división celular 2 2 (CDC2L2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 7, ARNm
NM_033532	Tipo ciclo de división celular 2 2 (CDC2L2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 6, ARNm
NM_033531	Tipo ciclo de división celular 2 2 (CDC2L2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_033529	Tipo ciclo de división celular 2 2 (CDC2L2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_033528	Tipo ciclo de división celular 2 2 (CDC2L2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033527	Tipo ciclo de división celular 2 2 (CDC2L2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_006629	Proteína de dedo de cinc 271 (ZNF271) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015294	Que contiene motivo tripartito 37 (TRIM37) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033132	Proteína de miembro 5 de familia de cinc (ZIC5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033108	Tipo factor de transcripción de choque térmico 2 (LOC86614) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033106	Precursor peptídico tipo galanina (LOC85569) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033105	Proteína de cadena de cisteína beta (LOC85479) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033104	Estonina 2 (LOC85439) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033102	Proteína prosteína (LOC85414) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003823	Superfamilia de receptor de factor de necrosis tumoral, miembro 6b, señuelo (TNFRSF6B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito M68E, ARNm
NM_006470	Que contiene motivo tripartito 16 (TRIM 16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032606	Calcifosina (LOC84698) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032595	Neurabina II (LOC84687) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032584	Proteína de dedo de cinc 347 (ZNF347) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032576	Proteína tipo respuesta específica a lipopolisacárido 5 (LOC84663) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032518	Precursor del componente de placa amiloide de Alzheimer tipo colágeno (LOC84570) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032509	Proteína de unión a ARN (LOC84549) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032484	Proteína hipotética (LOC84514) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032389	Proteína de dedo de cinc 289, regulada por ID1 (ZNF289) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031918	Factor tipo Kruppel 16 (KLF16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031463	Tipo esteroide deshidrogenasa (LOC83693) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031461	CocoaCrisp (LOC83690) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031417	Tipo cinasa reguladora de afinidad de microtúbulos/MAP 1 (MARKL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030791	Esfingosina-1-fosfatasa (LOC81537) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024670	Supresor de homólogo 2 de abigarramiento 3-9 (<i>Drosophila</i>); proteína hipotética FU23414 (SUV39H2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003414	Proteína de dedo de cinc 267 (ZNF267) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 498723, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_023945	4 dominios que atraviesan la membrana, subfamilia A, miembro 5 (MS4A5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023014	Proteína hipotética similar a antígeno expresado de forma preferente de melanoma (LOC65122) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023013	Proteína hipotética Similar a antígeno expresado de forma preferente de melanoma (LOC65121) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022357	Metalopeptidasa putativa (familia M19) (LOC64180) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022355	Dipeptidasa putativa (LOC64174) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022353	Sialoglucoproteasa putativa tipo 2 (LOC64172) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022345	Proteína derivada de uterina de 14 kDa (LOC64150) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022343	Proteína de cerebro fetal de 17 kD (LOC64148) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022340	Proteína rabenosina 5 efectora de Rab5 que contiene dedos de FYVE (LOC64145) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021932	Proteína hipotética de EUROIMAGE 1987170 (LOC60626) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021931	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 35 (DDX35) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021632	Proteína de dedo de cinc ZBRK1 (ZBRK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021630	Proteína PDZ-LIM mystique (LOC59346) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019591	Proteína de dedo de cinc 26 (KOX 20) (ZNF26) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018675	Proteína de dedo de cinc 302 (ZNF302) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021226	Proteína hipotética de clones 23549 y 23762 (LOC58504) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021211	Proteína tipo transposasa Busterl derivada de transposón (LOC58486) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021186	Glucoproteína de zona pelúcida 4 (ZP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020903	Proteasa de procesamiento específico de ubiquitina (LOC57663) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020666	Cinasa tipo CDC 4 (CLK4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020421	Proteína hipotética (LOC57143) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020140	Proteína de 47 kDa putativa (LOC56899) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016305	Gen de translocación de sarcoma sinovial en tipo cromosoma 18 2 (SS18L2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016417	Clon FLB4739 (LOC51218) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020467	Proteína hipotética de clon 643 (LOC57228) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020389	Canal de calcio capacitativo de putativo (trp7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020385	Proteína XPMC2 (LOC57109) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_020381	Proteína supresora de tumores candidatos (LOC57107) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020372	Transportador de cationes orgánicos (LOC57100) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020158	Componente de exosoma Rrp46 (RRP46) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020147	Proteína hipotética de EUROIMAGE 511235 (LOC56906) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020154	Proteína hipotética del cromosoma 11 ORF3 (LOC56851) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019613	Proteína hipotética 628 (LOC56270) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019059	Proteína de 6,2 kD (LOC54543) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019037	Componente de exosoma Rrp41 (FLJ20591) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018579	Transportador de solutos mitocondrial (LOC51312) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018485	Receptor acoplado a proteína G C5L2 (LOC55868) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018479	Proteína del hipotálamo no caracterizada HCDASE (LOC55862) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018447	Proteína de 30 kDa (LOC55831) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018443	Proteína de dedo de cinc 302 (ZNF302) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018430	Proteína hipotética (LOC55 815) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018402	Interleucina 26 (IL26) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017692	Aprataxina (APTX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018171	Proteína FLJ10659 hipotética (FLJ10659) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017530	Proteína LOC55565 hipotética (LOC55565) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013385	Homología de pleckstrina, Sec7 y dominios superenrollados 4 (PSCD4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016651	Proteína de gen novedoso de carcinoma heptacelular 3 (LOC51339) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016955	Antígeno de hígado soluble/antígeno de páncreas de hígado (LOC51091) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016422	Proteína de dedo de cinc tipo C3HC4 (ZFP26) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016520	Antígeno asociado a carcinoma hepatocelular 59 (LOC51759) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016275	Selenoproteína T (LOC51714) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016242	Endomucina-2 (LOC51705) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016233	Peptidilarginina desiminasa tipo III (LOC51702) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016209	Desconocida (LOC51693) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016140	Proteína específica de cerebro (LOC51673) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016107	Proteína de unión a ARN de dedo de cinc (ZFR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016098	Proteína HSPC040 (LOC51660) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016095	Proteína HSPC037 (LOC51659) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016086	Proteína tipo map cinasa fosfatasa MK-STYX (LOC51657) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016061	Proteína CGI-127 (LOC51646) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016039	Proteína CGI-99 (LOC51637) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016029	Proteína CGI-86 (LOC51635) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016024	Proteína CGI-79 (LOC51634) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016019	Proteína CGI-74 (LOC51631) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015964	Proteína específica de cerebro (LOC51673) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015939	Proteína CGI-09 (LOC51605) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016647	Proteína de célula madre mesenquimal DSCD75 (LOC51337) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016646	Proteína de célula madre mesenquimal DSCD28 (LOC51336) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016632	Proteína ARF (LOC51326) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016629	Proteína hipotética (LOC51323) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016627	Proteína hipotética (LOC51321) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016626	Proteína hipotética (LOC51320) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016618	Proteína hipotética (LOC51315) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016616	NM23-H8 (LOC51314) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016613	Proteína AD021 (LOC51313) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016612	Transportador de solutos mitocondrial (LOC51312) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016594	Precursor de proteína de unión a FK506 (LOC51303) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016562	Receptor tipo toll 7 (TLR7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016546	Precursor de proteinasa tipo C1r de complemento, (LOC51279) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016534	Proteína relacionada con apoptosis PNAS-1 (LOC51275) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016521	Proteína tipo E2F (LOC51270) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016511	Receptor tipo lectina tipo C 1 (LOC51267) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016509	Receptor tipo lectina tipo C 2 (LOC51266) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016496	Proteína hipotética (LOC51257) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016494	Proteína hipotética (LOC51255) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016484	Proteína hipotética (LOC51248) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016471	Proteína hipotética (LOC51242) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016467	Proteína hipotética (LOC51240) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016454	Proteína hipotética (LOC51234) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016429	COPZ2 para proteína de la cápside no de clatrina zeta-COP (LOC51226) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016383	Antígeno tumoral HOM-TES-85(LOC51213) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016380	Proteína relacionada con diferenciación difl 3 (LOC51212) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016364	Proteína fosfatasa (LOC51207) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016339	Factor de intercambio de nucleótidos de guanina Link II (LOC51195) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016338	Proteína de unión a Ran 11 (LOC51194) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016331	Proteína de dedo de cinc ANC 2H01 (LOC51193) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016311	Precursor de inhibidor de ATPasa (LOC51189) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016256	N-Acetilglucosamina-1-fosfodiesteralfa-N-acetilglucosaminidasa (LOC51172) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016223	Proteína cinasa C y sustrato de caseína cinasa en neuronas 3 (PACSIN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016202	Proteína EC inducida por LDL (LOC51157) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016175	Proteína de unión a calcio truncada (LOC51149) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016162	Homólogo de supresor de tumor p33 ING1 candidato (LOC51147) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016158	Proteína transmembrana de eritrocito (LOC51145) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016142	Homólogo de esteroide deshidrogenasa (LOC51144) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016141	Cadena ligera de dineína A (LOC51143) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016125	Proteína PTD016 (LOC51136) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016121	Antígeno NY-REN-45 (LOC51133) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016102	Que contiene motivo tripartito 17 (TRIM17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016038	Proteína CGI-97 (LOC51119) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016035	Proteína CGI-92 (LOC51117) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016026	Proteína CGI-82 (LOC51109) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016010	Proteína CGI-62 (LOC51101) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016001	Proteína CGI-48 (LOC51096) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015996	Proteína CGI-40 (LOC51092) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015978	Proteína tirosina cinasa putativa (LOC51086) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015962	Proteína CGI-35 (LOC51077) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015960	Proteína CGI-32 (LOC51076) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_015957	Proteína CGI-29 (LOC51074) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015954	Proteína CGI-26 (LOC51071) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015917	Homólogo de subunidad 13 de glutatión S-transferasa (LOC51064) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015913	Proteína hipotética (LOC51060) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015912	Proteína hipotética (LOC51059) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015911	Proteína hipotética (LOC51058) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015907	Leucina aminopeptidasa (LOC51056) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015883	Proteína desconocida de clon 1900 (LOC51049) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015872	Proteína de dedo de cinc relacionada con kruppel hcKrox (LOC51043) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015871	Proteína de dedo de cinc (LOC51042) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016072	Proteína CGI-141 (LOC51026) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016068	Proteína CGI-135 (LOC51024) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016053	Proteína CGI-116 (LOC51019) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016046	Homólogo de proteína de núcleo exosómico de levadura CSL4 (CSL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016042	Componente de exosoma Rrp40 (RRP40) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015944	Proteína CGI-14 (LOC51005) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016060	Proteína CGI-125 (LOC51003) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016482	Antígeno asociado a carcinoma hepatocelular 59 (LOC51759) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014681	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 34 (DDX34) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014415	Proteína de dedo de cinc (ZNF-U69274) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014579	Transportador de cinc (ZIP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014347	Proteína de dedo de cinc (ZF5128) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007146	Proteína de dedo de cinc 161 (ZNF161) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006626	Proteína de dedo de cinc con dominio de interacción (ZID) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006336	Homólogo ZYG (ZYG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006138	4-dominios que atraviesan la membrana, subfamilia A, miembro 3 (específico de célula hematopoyética) (MS4A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005741	Proteína de dedo de cinc 263 (ZNF263) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000227	Laminina, alfa 3 (niceína (150 kD), kalinina (165 kD), BM600 (150 kD), epilegrina) (LAMA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000423	Queratina 2A (ictiosis bullosa epidérmica de Siemens) (KRT2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000659	Regulador autoinmune (distrofia ectodérmica de candidiasis de poliendocrinopatía autoinmune) (AIRE) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_000658	Regulador autoinmune (distrofia ectodérmica de candidiasis de poliendocrinopatía autoinmune) (AIRE) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito AIRE-2, ARNm
NM_000383	Regulador autoinmune (distrofia ectodérmica de candidiasis de poliendocrinopatía autoinmune) (AIRE) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito AIRE-1, ARNm
NM_003451	Proteína de dedo de cinc 177 (ZNF177) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003419	Proteína de dedo de cinc 345 (ZNF345) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003407	Proteína de dedo de cinc 36, tipo C3H, homólogo (ratón) (ZFP36) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001519	Homólogo de BRF1, subunidad de factor de inicio de la transcripción de ARN polimerasa III IIIB (<i>S. cerevisiae</i>) (BRF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000157	Glucosidasa, beta; ácida (incluye glucosilceramidasa) (GBA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_057178	Fring (LOC117584) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_057177	Región del cromosoma de esclerosis lateral amiotrófica 2 (juvenil), candidato 19 (ALS2CR19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058178	Receptor de pentraxina neuronal (NPTXR) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_014293	Receptor de pentraxina neuronal (NPTXR) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_012223	Miosina IB (MYO1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015277	Tipo 4 regulado por disminución por el desarrollo, expresada en célula precursora neural (NEDD4L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015074	Miembro de la familia de quinesina IB (KIF1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032591	Familia de transportadores de solutos 9 (intercambiador sodio/hidrógeno), isoforma 7 (SLC9A7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014208	Sialofosfoproteína de dentina (DSPP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014693	Enzima conversora de endotelina 2 (ECE2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005461	Homólogo de oncogén de fibrosarcoma musculo-aponeurótico v-maf B (aviar) (MAFB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030761	Familia de sitio de integración de MMTV de tipo wingless, miembro 4 (WNT4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032642	Familia de sitio de integración de MMTV de tipo wingless, miembro 5B (WNT5B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_030775	Familia de sitio de integración de MMTV de tipo wingless, miembro 5B (WNT5B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003392	Familia de sitio de integración de MMTV de tipo wingless, miembro 5A (WNT5A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_057168	Familia de sitio de integración de MMTV de tipo wingless, miembro 16 (WNT16) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_016087	Familia de sitio de integración de MMTV de tipo wingless, miembro 16 (WNT16) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_012101	Que contiene motivo tripartito 29 (TRIM29) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_058193	Que contiene motivo tripartito 29 (TRIM29) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000983	Proteína ribosómica L22 (RPL22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058248	DNasa ácida tipo DNasa II (DLAD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_021233	DNasa ácida tipo DNasa II (DLAD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_058175	Colágeno, tipo VI, alfa 2 (COL6A2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2C2a', ARNm
NM_058174	Colágeno, tipo VI, alfa 2 (COL6A2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2C2a, ARNm
NM_001849	Colágeno, tipo VI, alfa 2 (COL6A2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2C2, ARNm
NM_003312	Tiosulfato sulfurtransferasa (rhodanese) (TST) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020731	Represor del receptor de dioxina (AHRR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053049	Estrescopina (SPC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052834	Dominio de repetición WD 7 (WDR7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_015285	Dominio de repetición WD 7 (WDR7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000507	Fructosa-1,6-bisfosfatasa 1 (FBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002581	Proteína del plasma asociada a embarazo A (PAPPA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000968	Proteína ribosómica L4 (RPL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005061	Tipo proteína ribosómica L3 (RPL3L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030811	Proteína ribosómica mitocondrial S26 (MRPS26) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_022497	Proteína ribosómica mitocondrial S25 (MRPS25) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_053023	Proteína de dedo de cinc homóloga a Zfp91 en ratón (ZFP91) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052826	Dominio de repetición WD 6 (WDR6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_052825	Dominio de repetición WD 6 (WDR6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_052821	Dominio de repetición WD 5 (WDR5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_017588	Dominio de repetición WD 5 (WDR5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_052990	Dominio de repetición WD 10 (WDR10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_052989	Dominio de repetición WD 10 (WDR10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_052985	Dominio de repetición WD 10 (WDR10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_018262	Dominio de repetición WD 10 (WDR10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_031902	Proteína ribosómica mitocondrial S5 (MRPS5) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_015969	Proteína ribosómica mitocondrial S17 (MRPS17) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_016065	Proteína ribosómica mitocondrial S16 (MRPS16) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_031280	Proteína ribosómica mitocondrial S15 (MRPS15) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_022839	Proteína ribosómica mitocondrial S11 (MRPS11) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_016034	Proteína ribosómica mitocondrial S2 (MRPS2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_016070	Proteína ribosómica mitocondrial S23 (MRPS23) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_020191	Proteína ribosómica mitocondrial S22 (MRPS22) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_018135	Proteína ribosómica mitocondrial S18A (MRPS18A) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_021996	Glucolípid sintetasa Forssman (FS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052815	Respuesta temprana inmediata 3 (IER3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito largo, ARNm
NM_003897	Respuesta temprana inmediata 3 (IER3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito corto, ARNm
NM_053013	Enolasa 3, (beta, músculo) (ENO3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001976	Enolasa 3, (beta, músculo) (ENO3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_048368	CTD (dominio del extremo carboxilo, ARN polimerasa II, polipéptido A) fosfatasa, subunidad 1 (CTDP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito FCP1b, ARNm
NM_004715	CTD (dominio del extremo carboxilo, ARN polimerasa II, polipéptido A) fosfatasa, subunidad 1 (CTDP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito FCP1a, ARNm
NM_015719	Colágeno, tipo V, alfa 3 (COL5A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000393	Colágeno, tipo V, alfa 2 (COL5A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000093	Colágeno, tipo V, alfa 1 (COL5A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001256	Ciclo de división celular 27 (CDC27) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004661	CDC23 (ciclo de división celular 23, levadura, homólogo) (CDC23) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_037370	Proteína de unión a ciclina tipo D 1 (CCNDBP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_012142	Proteína de unión a ciclina tipo D 1 (CCNDBP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_019592	Proteína de dedo de cinc ring 20 (RNF20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003386	Zonadhesina (ZAN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001959	Factor de elongación de traducción eucariota 1 beta 2 (EEF1B2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_021121	Factor de elongación de traducción eucariota 1 beta 2 (EEF1B2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_006778	Proteína de dedo de cinc 9 (RNF9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_052828	Proteína de dedo de cinc 9 (RNF9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_007028	Que contiene motivo tripartito 31 (TRIM31) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NG_000019	Región beta de gonadotropina coriónica (CGB@) en el cromosoma 19 de <i>Homo sapiens</i>
NM_052952	Roto en carcinoma renal 1 (DIRC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000989	Proteína ribosómica L30 (RPL30) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000978	Proteína ribosómica L23 (RPL23) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000985	Proteína ribosómica L17 (RPL17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019035	Protocadherina 18 (PCDH18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017809	Factor de exportación de ARN nuclear 2 (NXF2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_030943	Proteína amnionless (AMN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022053	Factor de exportación de ARN nuclear 2 (NXF2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_014762	24-Deshidrocolesterol reductasa (DHCR24) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023922	Receptor del gusto, tipo 2, miembro 14 (TAS2R14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023921	Receptor del gusto, tipo 2, miembro 10 (TAS2R10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023920	Receptor del gusto, tipo 2, miembro 13 (TAS2R13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023919	Receptor del gusto, tipo 2, miembro 7 (TAS2R7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023918	Receptor del gusto, tipo 2, miembro 8 (TAS2R8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023917	Receptor del gusto, tipo 2, miembro 9 (TAS2R9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022100	Proteína ribosómica mitocondrial S14 (MRPS14) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_022169	Casete de unión a ATP, sub-familia G (WHITE), miembro 4 (ABCG4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018031	Dominio de repetición WD 6 (WDR6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_012333	Proteína de unión a c-myc (MYCBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014586	Cinasa asociada a Neu regulada por incremento por hormonas (HUNK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014296	Calpaína 7 (CAPN7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006615	Calpaína 9 (nCL-4) (CAPN9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005807	Proteoglucano 4, (factor estimulante de megacariocitos, proteína de zona superficial articular, síndrome de camptodactilia, artropatía, coxa vara, pericarditis) (PRG4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004467	Fibrinógeno tipo 1 (FGL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003391	Miembro de la familia del sitio de integración de MMTV tipo wingless 2 (WNT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002995	Subfamilia de citocina inducible pequeña C, miembro 1 (linfotactina) (SCYC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002477	Miosina, polipéptido ligero 5, regulador (MYL5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058253	Proteína S6 cinasa ribosómica, 52 kD, polipéptido 1 (RPS6KC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000623	Receptor de bradiquinina B2 (BDKRB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000424	Queratina 5 (epidermólisis bullosa simple, tipos Dowling-Meara/Kobner/Weber-Cockayne) (KRT5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002272	Queratina 4 (KRT4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_057088	Queratina 3 (KRT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006121	Queratina 1 (hiperqueratosis epidermolítica) (KRT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_057182	Ciclina E1 (CCNE1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001238	Ciclina E1 (CCNE1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_054029	Marco de lectura abierto 14 del cromosoma 8 (C8orf14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_054017	Marco de lectura abierto 12 del cromosoma 8 (C8orf12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052936	Tipo AUT 2, cisteína endopeptidasa (<i>S. cerevisiae</i>) (AUTL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004926	Proteína de dedo de cinc 36, tipo C3H 1 (ZFP36L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006887	Proteína de dedo de cinc 36, tipo C3H 2 (ZFP36L2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015355	Unido a JAZF1 (JJAZ1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005642	TAF7 ARN polimerasa II, factor asociado a proteína de unión de caja TATA (TBP), 55 kD (TAF7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032685	Proteína MGC13005 hipotética (MGC13005) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032656	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 37 (DDX37) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031919	Cistatina y dominio DUF19 que contiene 1 (CSDUFD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031475	Espina (ESPN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024101	Melanofilina (MLPH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002597	Fosducina (PDC) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Phd, ARNm
NM_021201	4-dominios que atraviesan la membrana, subfamilia A, miembro 7 (MS4A7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020634	Factor de diferenciación de crecimiento 3 (GDF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020185	Proteína cinasa fosfatasa activada por mitógeno x (MKPX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002897	Motivo de unión a ARN, proteína de interacción monocatenaria 1 (RBMS1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito scr2, ARNm
NM_016839	Motivo de unión a ARN, proteína de interacción monocatenaria 1 (RBMS1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito MSSP-2, ARNm
NM_016838	Motivo de unión a ARN, proteína de interacción monocatenaria 1 (RBMS1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito MSSP-1, ARNm
NM_016837	Motivo de unión a ARN, proteína de interacción monocatenaria 1 (RBMS1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito MSSP-3, ARNm
NM_016836	Motivo de unión a ARN, proteína de interacción monocatenaria 1 (RBMS1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito YCI, ARNm
NM_016941	Tipo delta 3 (<i>Drosophila</i>) (DLL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016335	Prolina deshidrogenasa (oxidasa) 1 (PRODH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014122	Proteína PRO0245 (PRO0245) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015344	Tipo transcrito solapante de receptor de leptina 1 (LEPROTL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014450	Adaptador transmembrana que interacciona con SHP2 (SIT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007159	Proteína asociada a sarcolema (SLMAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005974	Prolina deshidrogenasa (oxidasa) 1 (PRODH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004974	Canal regulado por tensión de potasio, subfamilia relacionada con shaker, miembro 2 (KCNA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003195	Factor de elongación de la transcripción A (SII), 2 (TCEA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001010	Proteína ribosómica S6 (RPS6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000981	Proteína ribosómica L19 (RPL19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003378	Factor de crecimiento nervioso VGF inducible (VGF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001612	Proteína de vesícula acrosómica 1 (ACRV1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_020115	Proteína de vesícula acrosómica 1 (ACRV1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 11, ARNm
NM_020114	Proteína de vesícula acrosómica 1 (ACRV1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 9, ARNm
NM_020113	Proteína de vesícula acrosómica 1 (ACRV1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 8, ARNm
NM_020112	Proteína de vesícula acrosómica 1 (ACRV1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 7, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_020111	Proteína de vesícula acrosómica 1 (ACRV1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 6, ARNm
NM_020110	Proteína de vesícula acrosómica 1 (ACRV1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 10, ARNm
NM_020109	Proteína de vesícula acrosómica 1 (ACRV1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_020108	Proteína de vesícula acrosómica 1 (ACRV1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_020107	Proteína de vesícula acrosómica 1 (ACRV1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_020069	Proteína de vesícula acrosómica 1 (ACRV1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_022909	Proteína de centrómero H (CENPH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021734	Familia de transportadores de solutos 25 (transportador de desoxinucleótido mitocondrial), miembro 19 (SLC25A19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021259	Proteína transmembrana 8 (dominios que atraviesan cinco membranas) (TMEM8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020139	Oxidoreductasa UCPA (LOC56898) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015975	ARN polimerasa II tipo TAF9, factor asociado a proteína de unión a caja TATA (TBP), 31 kD (TAF9L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013271	Inhibidor de proproteína convertasa subtilisina/quexina tipo 1 (PCSKIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000904	NAD(P)H deshidrogenasa, quinona 2 (NQO2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000903	NAD(P)H deshidrogenasa, quinona 1 (NQO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002959	Sortilina 1 (SORT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_057170	Interactor de cinasa receptora acoplada a proteína G 2 (GIT2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_057169	Interactor de cinasa receptora acoplada a proteína G2 (GIT2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_057161	Proteína mediadora intracelular de testículo (PEAS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_057167	Colágeno, tipo VI, alfa 3 (COL6A3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_057166	Colágeno, tipo VI, alfa 3 (COL6A3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_057165	Colágeno, tipo VI, alfa 3 (COL6A3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_057164	Colágeno, tipo VI, alfa 3 (COL6A3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_014776	Interactor de cinasa receptora acoplada a proteína G 2 (GIT2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_004369	Colágeno, tipo VI, alfa 3 (COL6A3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001183	ATPasa, transporte de H ⁺ , lisosómica (bomba de protones vacuolar), subunidad 1 (ATP6S1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000675	Receptor de adenosina A2a (ADORA2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_033027	AXIN1 regulada por incremento (AXUD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002539	Ornitina descarboxilasa 1 (ODC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_058004	Fosfatidilinositol 4-cinasa, catalítica, polipéptido alfa (PIK4CA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000992	Proteína ribosómica L29 (RPL29) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000984	Proteína ribosómica L23a (RPL23A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001289	Canal intracelular de cloruro 2 (CLIC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018648	Familia de proteína nucleolar A, miembro 3 (RNP nucleolares pequeñas H/ACA) (NOLA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021947	Serina racemasa (SRR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016579	Antígeno 8D6 (8D6A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006849	Proteína disulfuro isomerasa, pancreática (PDIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002650	Fosfatidilinositol 4-cinasa, catalítica, polipéptido alfa (PIK4CA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000988	Proteína ribosómica L27 (RPL27) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000987	Proteína ribosómica L26 (RPL26) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000986	Proteína ribosómica L24 (RPL24) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031964	Proteína asociada a queratina 17.1 (KAP17.1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000420	Grupo sanguíneo Kell (KEL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052841	Serina/treonina cinasa 22C (asociada a espermiogénesis) (STK22C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017647	Homólogo de FtsJ 3 (<i>E. coli</i>) (FTSJ3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001845	Colágeno, tipo IV, alfa 1 (COL4A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016508	Cinasa dependiente de ciclina tipo 3 (CDKL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001261	Cinasa dependiente de ciclina 9 (cinasa relacionada con CDC2) (CDK9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033131	Familia de sitio de integración de MMTV tipo wingless, miembro 3A (WNT3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030753	Familia de sitio de integración de MMTV tipo wingless, miembro 3 (WNT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
hfM_003396	Familia de sitio de integración de MMTV tipo wingless, miembro 15 (WNT15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004626	Familia de sitio de integración de MMTV tipo wingless, miembro 11 (WNT11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_057176	Barttin (BSND) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012079	Homólogo de diacilglicerol O-aciltransferasa 1 (ratón) (DGAT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005490	Que contiene dominio SH2 3A (SH2D3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032563	Proteína tipo proteína de complejo de diferenciación epidérmico (LEP16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014914	Centaurina, gamma 2 (CENTG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014161	Proteína ribosómica mitocondrial L18 (MRPL18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004895	Síndrome autoinflamatorio frío 1 (CIAS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000086	Lipofuscinosis cerioide, neuronal 3, juvenil (Batten, enfermedad Spielmeyer-Vogt) (CLN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033341	Que contiene repetición IAP baculovírica 8 (BIRC8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_054013	Marmosil (alfa-1,3-)-glucoproteína beta-1,4-N-acetilglucosaminiltransferasa, isoenzima B (MGAT4B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000449	Factor regulador X, 5 (influye en la expresión de HLA de clase II) (RFX5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_054025	Beta-1,3-glucuroniltransferasa 1 (glucuronosiltransferasa P) (B3GAT1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002628	Profilina 2 (PFN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_053024	Profilina 2 (PFN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_003930	Fosfoproteína asociada a familia src 2 (SCAP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014018	Proteína ribosómica mitocondrial S28 (MRPS28) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_015971	Proteína ribosómica mitocondrial S7 (MRPS7) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_032476	Proteína ribosómica mitocondrial S6 (MRPS6) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_018141	Proteína ribosómica mitocondrial S10 (MRPS10) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_014046	Proteína ribosómica mitocondrial S18B (MRPS18B) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_006513	Seril-ARNt sintetasa (SARS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021153	Cadherina 19, tipo 2 (CDH19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033664	Cadherina 11, tipo 2, OB-cadherina (osteoblasto) (CDH11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001797	Cadherina 11, tipo 2, OB-cadherina (osteoblasto) (CDH11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033381	Colágeno, tipo IV, alfa 5 (síndrome de Alport) (COL4A5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_033380	Colágeno, tipo FV, alfa 5 (síndrome de Alport) (COL4A5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000495	Colágeno, tipo IV, alfa 5 (síndrome de Alport) (COL4A5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000092	Colágeno, tipo IV, alfa 4 (COL4A4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033184	Proteína asociada a queratina 2.4 (KAP2.4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032014	Proteína ribosómica mitocondrial S24 (MRPS24) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_001006	Proteína ribosómica S3A (RPS3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012411	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 22 (linfoide) (PTPN22) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_015967	Proteína tirosina fosfatasa, tipo no receptor 22 (linfoide) (PTPN22) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_006310	Sensible a puromicina de aminopeptidasa (NPEPPS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033335	Subfamilia de receptor nuclear 6, grupo A, miembro 1 (NR6A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033334	Subfamilia de receptor nuclear 6, grupo A, miembro 1 (NR6A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001489	Subfamilia de receptor nuclear 6, grupo A, miembro 1 (NR6A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001606	Casete de unión a ATP, sub-familia A (ABC1), miembro 2 (ABCA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002284	Queratina, pelo, básico, 6 (monilethrix) (KRTHB6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002283	Queratina, pelo, básico, 5 (KRTHB5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002282	Queratina, pelo, básico, 3 (KRTHB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033033	Queratina, pelo, básico, 2 (KRTHB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002281	Queratina, pelo, básico, 1 (KRTHB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033045	Queratina, pelo, básico, 4 (KRTHB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001011	Proteína ribosómica S7 (RPS7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000980	Proteína ribosómica L18a (RPL18A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000979	Proteína ribosómica L18 (RPL18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000977	Proteína ribosómica L13 (RPL13) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033251	Proteína ribosómica L13 (RPL13) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000976	Proteína ribosómica L12 (RPL12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000975	Proteína ribosómica L11 (RPL11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000894	Polipéptido beta de hormona luteinizante (LHB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005082	Proteína de dedo de cinc 147 (proteína de dedo sensible a estrógeno) (ZNF147) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003549	Hialuronoglucosaminidasa 3 (HYAL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033181	Receptor de cannabinoides 1 (cerebro) (CNR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NG_000018	Grupo de genes de queratina de pelo de tipo genómico I (ácido)(KRTHA.1@) en el cromosoma 17
NM_033151	Casete de unión a ATP, sub-familia C (CFTR/MRP), miembro 11 (ABCC11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006998	Secretagogina (SECRET) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006201	Proteína cinasa PCTAIRE 1 (PCTK1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033019	Proteína cinasa PCTAIRE 1 (PCTK1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033018	Proteína cinasa PCTAIRE 1 (PCTK1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NG_000012	Grupo de protocaderina gamma genómica (PCDHG@) en el cromosoma 5
NM_001023	Proteína ribosómica S20 (RPS20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004451	Receptor relacionado con estrógeno alfa (ESRRA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005755	Gen inducido por virus Epstein-Barr 3 (EBI3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001015	Proteína ribosómica S11 (RPS11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006923	Factor derivado de célula estromal 2 (SDF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000394	Cristalina, alfa A (CRYAA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003761	Proteína de membrana asociada a vesícula 8 (endobrevina) (VAMPS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031958	Proteína asociada a queratina 3.1 (KRTAP3.1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031957	Proteína asociada a queratina 1.5 (KRTAP1.5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004776	UDP-Gal:betaGlcNAc beta 1,4-galactosiltransferasa, polipéptido 5 (B4GALT5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030587	UDP-Gal:betaGlcNAc beta 1,4-galactosiltransferasa, polipéptido 2 (B4GALT2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_003780	UDP-Gal:betaGlcNAc beta 1,4-galactosiltransferasa, polipéptido 2 (B4GALT2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004391	Citocromo P450, subfamilia VIIIB (esterol 12-alfa-hidroxilasa), polipéptido 1 (CYP8B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000785	Citocromo P450, subfamilia XXVIIB (25-hidroxitamina D-1-alfa-hidroxilasa), polipéptido 1 (CYP27B1), proteína mitocondrial codificada por gen nuclear, ARNm
NM_031419	Molécula que posee repeticiones de anquirina inducida por lipopolisacárido (MAIL), homólogo de ratón (MAIL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000961	Prostaglandina 12 (prostaciclina) sintasa (PTGIS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003293	Triptasa, alfa (TPS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016630	Proteína de grupo ácido 33 (ACP33) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014458	Proteína que contiene motivo Kelch (AB026190) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007207	Fosfatasa de especificidad dual 10 (DUSP10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030660	Enfermedad de Machado-Joseph (ataxia espinocerebelar 3, ataxia olivopontocerebelar 3, dominante autosómica, ataxina 3) (MJD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_022055	Canal de potasio, subfamilia K, miembro 12 (KCNK12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021175	Péptido antimicrobiano de hepcidina (HAMP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018666	Antígeno de sarcoma (SAGE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016532	SKIP para inositol fosfatasa enriquecida en músculo esquelético y riñón (LOC51763) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015987	Proteína de unión a hemo 1 (HEBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014079	Factor tipo Kruppel15 (KLF15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014759	Proteína que interacciona con fitanoil-CoA hidroxilasa (PHYHIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002590	Protocadherina 8 (PCDH8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004826	Tipo enzima convertora de endotelina 1 (ECEL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004420	Fosfatasa de especificidad dual 8 (DUSP8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001012	Proteína ribosómica S8 (RPS8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002595	Proteína cinasa PCTAIRE 2 (PCTK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001395	Fosfatasa de especificidad dual 9 (DUSP9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003887	Factor potenciador de desarrollo y diferenciación 2 (DDEF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001446	Proteína de unión a ácido graso 7, cerebro (FABP7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001259	Cinasa dependiente de ciclina 6 (CDK6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001760	Ciclina D3 (CCND3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001759	Ciclina D2 (CCND2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001237	Ciclina A2 (CCNA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_057158	Fosfatasa de especificidad dual 4 (DUSP4) variante de transcrito 2, ARNm
NM_001394	Fosfatasa de especificidad dual 4 (DUSP4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_052988	Cinasa dependiente de ciclina (tipo CDC2) 10 (CDK10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_052987	Cinasa dependiente de ciclina (tipo CDC2) 10 (CDK10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_057160	Artemina (ARTN) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_057091	Artemina (ARTN) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_057090	Artemina (ARTN) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_003976	Artemina (ARTN) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000050	Arginino succinato sintetasa (ASS) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_054012	Arginino succinato sintetasa (ASS) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_053286	Acuaporina 6, específica de riñón (AQP6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001652	Acuaporina 6, específica de riñón (AQP6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_053032	Miosina, polipéptido cinasa ligera (MYLK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 8, ARNm
NM_053031	Miosina, polipéptido cinasa ligera (MYLK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 7, ARNm
NM_053030	Miosina, polipéptido cinasa ligera (MYLK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_053029	Miosina, polipéptido cinasa ligera (MYLK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_053028	Miosina, polipéptido cinasa ligera (MYLK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3B, ARNm
NM_053027	Miosina, polipéptido cinasa ligera (MYLK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3A, ARNm
NM_053026	Miosina, polipéptido cinasa ligera (MYLK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_053025	Miosina, polipéptido cinasa ligera (MYLK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM. 016497	Proteína ribosómica mitocondrial 64 (MRP64) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_024026	Proteína ribosómica mitocondrial 63 (MRP63) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_021821	Proteína ribosómica mitocondrial S35 (MRPS35) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_005965	Miosina, polipéptido cinasa ligera (MYLK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 6, ARNm
NM_016640	Proteína ribosómica mitocondrial S30 (MRPS30) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053035	Proteína ribosómica mitocondrial S33 (MRPS33) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_016071	Proteína ribosómica mitocondrial S33 (MRPS33) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_031901	Proteína ribosómica mitocondrial S21 (MRPS21) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_018997	Proteína ribosómica mitocondrial S21 (MRPS21) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_033363	Proteína ribosómica mitocondrial S12 (MRPS12) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_033362	Proteína ribosómica mitocondrial S12 (MRPS12) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_021144	Proteína que interacciona con PC4 y SFRS1 1 (PSDP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052953	Proteína hipotética LRP15 (LRP15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033207	Proteína transmembrana HTMP10 (HTMP10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030649	Centaurina, beta 5 (CENTB5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023936	Proteína ribosómica mitocondrial S34 (MRPS34) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_021107	Proteína ribosómica mitocondrial S12 (MRPS12) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_014322	Opsina 3 (encefalopsina, panopsina) (OPN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001260	Cinasa dependiente de ciclina 8 (CDK8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003674	Cinasa dependiente de ciclina (tipo CDC2) 10 (CDK10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_057094	Cristalina, beta A2 (CRYBA2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_057093	Cristalina, beta A2 (CRYBA2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_052984	Cinasa dependiente de ciclina 4 (CDK4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000075	Cinasa dependiente de ciclina 4 (CDK4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_052827	Cinasa dependiente de ciclina 2 (CDK2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001798	Cinasa dependiente de ciclina 2 (CDK2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito I, ARNm
NM_006522	Familia de sitio de integración de MMTV tipo wingless, miembro 6 (WNT6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005430	Familia de sitio de integración de MMTV tipo wingless, miembro 1 (WNT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003394	Familia de sitio de integración de MMTV tipo wingless, miembro 10B (WNT10B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025216	Familia de sitio de integración de MMTV tipo wingless, miembro 10A (WNT10A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005370	Homólogo de RAB8 de oncogén transformante de mel (derivado de línea celular NK14) (MEL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033100	MT-protocadherina (KIAA1775) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005086	Sarcospan (gen asociado a oncogén Kras) (SSPN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003737	Protocadherina 16 (PCDH16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018153	Marcador endotelial tumoral 8 (TEM8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_053034	Marcador endotelial tumoral8 (TEM8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005929	Antígeno p97 (asociado a melanoma) identificado por anticuerpos monoclonales 133.2 y 96.5 (MF12) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033316	Antígeno p97 (asociada a melanoma) identificado por anticuerpos monoclonales 133.2 y 96.5 (MF12) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001002	Proteína ribosómica, grande, P0 (RPLP0) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_053275	Proteína ribosómica, grande, P0 (RPLP0) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_054034	Fibronectina 1 (FN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002026	Fibronectina 1 (FN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004460	Proteína de activación de fibroblastos, alfa (FAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000783	Citocromo P450, subfamilia XXVIA, polipéptido 1 (CYP26A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_057157	Citocromo P450, subfamilia XXVIA, polipéptido 1 (CYP26A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032211	Tipo lisiloxidasa 4 (LOXL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003395	Familia de sitio de integración de MMTV tipo wingless, miembro 14 (WNT14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033101	Lectina, unión a galactósido, soluble, 12 (galectina 12) (LGALS12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032611	Proteína tirosina fosfatasa tipo IVA, miembro 3 (PTP4A3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_007079	Proteína tirosina fosfatasa tipo IVA, miembro 3 (PTP4A3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032208	Marcador endotelial tumoral 8 (TEM8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_014644	Fosfodiesterasa 4D que interacciona con proteína (miomegalina) (PDE4DIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006551	Lipofilina B (miembro de la familia de uteroglobina), tipo prostateína (LPHB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012280	Homólogo de FtsJ 1 (<i>E. coli</i>) (FTSJ1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005209	Cristalina, beta A2 (CRYBA2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_007346	Receptor de factor de crecimiento opioide (OGFR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006552	Lipofilina A (miembro de la familia de uteroglobina) (LPHA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015965	Proteína reguladora de muerte celular GRIM 19 (GRIM19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014275	Marmosil (alfa-1,3-)-glucoproteína beta-1,4-N-acetilglucosaminiltransferasa, isoenzima B (MGAT4B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001872	Carboxipeptidasa B2 (plasma, carboxipeptidasa U) (CPB2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_016413	Carboxipeptidasa B2 (plasma, carboxipeptidasa U) (CPB2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004632	Proteína asociada a muerte 3 (DAP3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_033657	Proteína asociada a muerte 3 (DAP3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_001266	Carboxilesterasa 1 (serina esterasa de monocitos/macrófagos1) (CES1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004287	Miembro del complejo del receptor de SNAP del golgi 2 (GOSR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A, ARNm
NM_054022	Miembro del complejo del receptor de SNAP del golgi 2 (GOSR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito B, ARNm
NM_002906	Radixina (RDX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001004	Proteína ribosómica, grande P2 (RPLP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001003	Proteína ribosómica, grande, P1 (RPLP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018644	Beta-1,3-glucuroniltransferasa 1 (glucuronosiltransferasa P) (B3GAT1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_022145	Proteína de cremallera de leucina FKSG14 (FKSG14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013363	Potenciador de endopeptidasa de procolágeno C2 (PCOLCE2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033119	Homólogo de naked cuticle 1 (<i>Drosophila</i>) (NKD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020439	Proteína cinasa dependiente de calcio/calmodulina IG (CAMKIG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032158	Proteína NOL1R2 (NOL1R2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022470	Proteína de dedo de cinc diana de p53 (WIG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018044	Proteína NOL1R (NOL1R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016262	Tubulina épsilon (LOC51175) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014239	Factor de inicio de la traducción eucariota 2B, subunidad 2 (beta, 39 kD) (EIF2B2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002308	Lectina, unión a galactósido, soluble, 9 (galectina 9) (LGALS9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito corto, ARNm
NM_009587	Lectina, unión a galactósido, soluble, 9 (galectina 9) (LGALS9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito largo, ARNm
NM_001187	Antígeno de melanoma B (BAGE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022162	Familia de dominio de reclutamiento de caspasa, miembro 15 (CARD15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014733	Proteína de dominio FYVE asociada a endosoma (ENDOFIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_013393	Homólogo de FtsJ 2 (<i>E. coli</i>) (FTSJ2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006440	Tiorredoxina reductasa beta (TR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005863	Gen transformante de célula neuroepitelial 1 (NET1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002119	Complejo mayor de histocompatibilidad, clase II, DO alfa (HLA-DOA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021908	Supresión de tumorigenicidad 7 (ST7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_018412	Supresión de tumorigenicidad 7 (ST7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_054020	Proteína de canal iónico putativa CATSPER2 (CATSPER2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053281	Homólogo de dachshund 2 (<i>Drosophila</i>) (DACH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031439	Factor de transcripción de S0X7 (SOX7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030796	Proteína DKFZp564K0822 hipotética (DKFZP564K0822) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025117	Proteína FLJ11871 hipotética (FLJ11871) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014893	Proteína KIAA0951 (KIAA0951) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000113	Distonía 1, torsión (dominante autosómico; arsina A) (DYT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053055	Proteína modulador del extremo C (CTMP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021212	Factor de transcripción de unión a HCF Zhangfei (ZF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007237	Proteína de cuerpo nuclear SP140 (SP140) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006368	Proteína de unión a elemento sensible a AMPc 3 (luman) (CREB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005759	Interactor de abl 12 (proteína que contiene SH3) (AIP-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052966	Marco de lectura abierto 24 del cromosoma 1 (C1orf24) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013247	Proteasa, serina, 25 (PRSS25) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003017	Factor de corte y empalme, arginina/serina rica en 3 (SFRS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006289	Talina 1 (TLN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000970	Proteína ribosómica L6 (RPL6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003973	Proteína ribosómica L14 (RPL14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001361	Dihidroorotato deshidrogenasa (DHODH) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_021248	Tipo cadherina 22 (CDH22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033224	Proteína de unión a elemento rico en purina B (PURB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005859	Proteína de unión a elemento rico en purina A (PURA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005022	Profilina 1 (PFN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017481	Ubiquilina 3 (UBQLN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_013444	Ubiquilina 2 (UBQLN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053067	Ubiquilina 1 (UBQLN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_013438	Ubiquilina 1 (UBQLN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032115	Canal de potasio, subfamilia K, miembro 16 (KCNK16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053284	Proteína que contiene WAP, FS, Ig, KU y NTR (WFIKKN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053278	Receptor acoplado a proteína G 102 (GPR102) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053276	Vitrina (VIT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032649	Proteína tipo glutamato carboxipeptidasa 2 (CPGL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053012	Proteína hipotética (LOC114137) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003268	Receptor tipo toll 5 (TLR5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053005	Proteína HCCA2 (HCCA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052889	Sólo proteína de CARD (COP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024740	Roto en trastorno bipolar 1 (DIBD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015721	Proteína asociada a gem (orgánulo nuclear) 4 (GEMIN4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003730	Precursor de ribonucleasa 6 (RNASE6PL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030916	Receptor de superfamilia de Ig LNIR (LNIR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022358	Canal de potasio, subfamilia K, miembro 15 (TASK-5) (KCNK15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022576	Fosducina (PDC) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito PhLOP1, ARNm
NM_018269	Proteína SIPL (SIPL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015915	Paraplejia espástica 3A (dominante autosómica) (SPG3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053036	Receptor acoplado a proteína G 74 (GPR74) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053016	Paralemmina 2 (PALM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053057	Proteína hipotética (LOC114138) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052838	Septina 1 (SEPT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032034	Familia de transportadores de solutos 4, tipo transportador de bicarbonato sódico, miembro 11 (SLC4A11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031899	Fosfoproteína de golgi 5 (GOLPH5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018448	Proteína que interacciona con TBP (TIP120A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016952	Relacionada con molécula de adhesión celular/regulado por disminución por oncogenes (CDON) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053050	Proteína ribosómica mitocondrial L53 (MRPL53) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_053045	Proteína MGC14327 hipotética (MGC14327) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017680	Asporina (LRR clase 1) (ASPN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003914	Ciclina A1 (CCNA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032387	Proteína cinasa, deficiente en lisina 4 (PRKWNK4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019093	Familia de UDP glucosiltransferasa 1, polipéptido A3 (UGT1A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021027	Familia de UDP glucosiltransferasa 1, polipéptido A9 (UGT1A9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019076	Familia de UDP glucosiltransferasa 1, polipéptido A8 (UGT1A8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000463	Familia de UDP glucosiltransferasa 1, polipéptido A1 (UGT1A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016608	Proteína ALEX1 (ALEX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016607	Proteína ALEX3 (ALEX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014860	Factor asociado a SPTF65 gamma (STAF65(gamma)) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014782	Proteína de repetición armadillo ALEX2 (ALEX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001072	Familia de UDP glucosiltransferasa 1, polipéptido A6 (UGT1A6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000405	Proteína activadora de gangliósido GM2 (GM2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001975	Enolasa 2, (gamma, neuronal) (ENO2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001428	Enolasa 1, (alfa) (ENO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052836	Relacionada con cadherina 23 (CDH23) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_022124	Relacionada con cadherina 23 (CDH23) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004063	Cadherina 17, LI cadherina (hígado-intestino) (CDH17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004062	Cadherina 16, KSP-cadherina (CDH16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004933	Cadherina 15, M-cadherina (miotúbulo) (CDH15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001257	Cadherina 13, H-cadherina (corazón) (CDH13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052819	Proteína de dominio de reclutamiento de caspasa 14 (CARD14) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_024110	Proteína de dominio de reclutamiento de caspasa 14 (CARD14) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032415	Familia de dominio de reclutamiento de caspasa, miembro 11 (CARD11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014466	Tektina 2 (testicular) (TEKT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053006	Serina/treonina cinasa 22B (asociada a espermiogénesis) (STK22B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012083	Linfomas de linfocitos T frecuentemente reordenados con antelación 2 (FRAT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006922	Canal de sodio, regulado por tensión, tipo III, polipéptido alfa (SCN3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005347	Proteína de choque térmico de 70 kD 5 (proteína regulada por glucosa, 78 kD) (HSPA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003777	Dineína, axonémica, polipéptido pesado 11 (ADNH11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013282	Tipo ubiquitina, que contiene dominios PHD y dedo RING, 1 (UHRF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020886	Proteasa específica de ubiquitina 28 (USP28) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020843	Proteína de dedo de cinc 291 (ZNF291) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024529	Fase abierta de lectura 28 del cromosoma 1 (C1orf28) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053003	Tipo SIGLEC1 (SIGLECL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033329	Tipo SIGLEC1 (SIGLECL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015101	Fase abierta de lectura 17 del cromosoma 1 (C1orf17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032551	Receptor acoplado a proteína G 54 (GPR54) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031898	Tectina 3 (TEKT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025191	Fase abierta de lectura 22 del cromosoma 1 (C1orf22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022755	Fase abierta de lectura 12 del cromosoma 9 (C9orf12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021104	Proteína ribosómica L41 (RPL41) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017847	Fase abierta de lectura 27 del cromosoma 1 (C1orf27) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017673	Fase abierta de lectura 26 del cromosoma 1 (C1orf26) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016000	ARNt-nucleotidiltransferasa que añade CCA mitocondrial (MtCCA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015989	Proteína relacionada con ácido cisteínasulfínico descarboxilasa 2 (CSAD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014654	Sindecano 3 (N-sindecano) (SDC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014837	Marco de lectura abierto 16 del cromosoma 1 (C1orf16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007179	Tipo insulina 6 (INSL6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005478	Tipo insulina 5 (INSL5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053000	TIGA1 (TIGA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052940	Proteína MGC8974 hipotética (MGC8974) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052830	Tipo gamma-glutamyltransferasa 3 (GGTL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_053002	Proteína de repetición sin emparejamiento opuesto (NOPAR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052998	Proteína tipo ornitina descarboxilasa (ODC-p) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052996	Que contiene dominio PR 7 (PRDM7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052995	Síndrome Usher 3A (USH3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007110	Proteína asociada a telomerasa 1 (TEP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_033656	Dominio de repetición WD 9 (WDR9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018963	Dominio de repetición WD 9 (WDR9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_017818	Dominio de repetición WD 8 (WDR8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033662	Dominio de repetición WD 4 (WDR4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033661	Dominio de repetición WD 4 (WDR4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018669	Dominio de repetición WD 4 (WDR4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_017883	Dominio de repetición WD 13 (WDR13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052837	Proteína de membrana transportadora secretora 3 (SCAMP3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005698	Proteína de membrana transportadora secretora 3 (SCAMP3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_005697	Proteína de membrana transportadora secretora 2 (SCAMP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004866	Proteína de membrana transportadora secretora 1 (SCAMP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_052822	Proteína de membrana transportadora secretora 1 (SCAMP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_052811	Proteína de dedo ret 2 (RFP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005798	Proteína de dedo ret 2 (RFP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_052817	Midline 2 (MID2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_012216	Midline 2 (MID2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000798	Receptor de dopamina D5 (DRD5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000794	Receptor de dopamina D1 (DRD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000796	Receptor de dopamina D3 (DRD3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_033663	Receptor de dopamina D3 (DRD3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito e, ARNm
NM_033660	Receptor de dopamina D3 (DRD3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito d, ARNm
NM_033659	Receptor de dopamina D3 (DRD3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito c, ARNm
NM_033658	Receptor de dopamina D3 (DRD3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_004934	Cadherina 18, tipo 2 (CDH18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004061	Cadherina 12, tipo 2 (N-cadherina 2) (CDH12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030622	Citocromo P450, subfamilia IIS, polipéptido1 (CYP2S1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052831	Gen dJ55C23.6 (dJ55C23.6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052816	Que contiene motivo tripartito 31 (TRIM31) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_052812	Que contiene motivo tripartito 15 (TRIM15) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_052955	Transglutaminasa Z (TGM7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052957	Proteína nuclear putativa (NAAR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052851	Similar a RhoGAP (GT650) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033229	Que contiene motivo tripartito 15 (TRIM 15) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_018103	Que contiene repeticiones ricas en leucina 5 (LRRC5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014879	Receptor acoplado a proteína G 105 (GPR105) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000797	Receptor de dopamina D4 (DRD4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006596	Polimerasa (dirigida a ADN), zeta (POLQ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052972	Glucoproteína rica en leucina alfa-2- (LRG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052967	Acoplada a proteína G relacionada con mas MRG (MRG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052963	Apoisomerasa mitocondrial I (TOP1MT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052962	Receptor de citocina clase II (IL22RA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052961	Familia de transportadores de solutos 26, miembro 8 (SLC26A8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052958	Proteína vestíbulo 1 (VEST1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052954	Proteína rica en cisteína y tirosina 1 (CYR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052949	Proteína liberadora de guanilo de RAS 4 (RASGRP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052934	Familia de transportadores de solutos 26, miembro 9 (SLC26A9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052933	Específica de testículo 13 (TSGA13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052932	Gen de lesión de membrana inductor de receptor pro-oncosis (PORIMIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052891	Precursor alfa de proteína de reconocimiento de peptidoglucano –I- (PGLYRPIalfa) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052888	Gen relacionado con KIAA0563 (LOC114659) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052887	Proteína adaptadora que contiene dominio de receptor de interleucina toll 1 (TIR) (TIRAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052886	Mal, proteína de diferenciación de linfocitos T 2 (MAL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052882	Dedo de cinc, impreso 3 (ZIM3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052880	Proteína MGC17330 hipotética (MGC17330) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052875	Proteína MGC10485 hipotética (MGC10485) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052874	Sintaxina 1B2 (STX1B2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052863	Citocina putativa alta en normal-1 (HIN-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_052862	Proteína MGC21854 hipotética (MGC21854) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052861	Proteína MGC21675 hipotética (MGC21675) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052853	Proteína MGC20727 hipotética (MGC20727) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052848	Proteína MGC20255 hipotética (MGC20255) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052845	Proteína MGC20496 hipotética (MGC20496) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052842	Tipo BCL212 (rica en prolina) (BCL2L12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052818	Gen hipotético CG018 (CG018) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032514	Cadena ligera 3 alfa de proteína asociada a microtúbulo 1 (MAP1LC3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022829	Familia de transportadores de solutos 13 (transportador de dicarboxilato dependiente de sodio), miembro 3 (SLC13A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018835	Receptor olfatorio, familia 1, subfamilia K, miembro 1 (OR1K1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006750	Sintrofina, beta 2 (proteína asociada a distrofina A1, 59 kD, componente básico 2) (SNTB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033641	Colágeno, tipo IV, alfa 6 (COL4A6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito B, ARNm
NM_001847	Colágeno, tipo IV, alfa 6 (COL4A6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A, ARNm
NM_004359	Ciclo de división celular 34 (CDC34) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033493	Tipo ciclo de división celular 21 (proteínas PITSLRE) (CDC2L1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 9, ARNm
NM_033492	Tipo ciclo de división celular 21 (proteínas PITSLRE) (CDC2L1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 8, ARNm
NM_033491	Tipo ciclo de división celular 2 1 (proteínas PITSLRE) (CDC2L1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 7, ARNm
NM_033490	Tipo ciclo de división celular 2 1 (proteínas PITSLRE) (CDC2L1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 6, ARNm
NM_033489	Tipo ciclo de división celular 2 1 (proteínas PITSLRE) (CDC2L1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_033488	Tipo ciclo de división celular 2 1 (proteínas PITSLRE) (CDC2L1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_033487	Tipo ciclo de división celular 2 1 (proteínas PITSLRE) (CDC2L1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033486	Tipo ciclo de división celular 2 1 (proteínas PITSLRE) (CDC2L1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001787	Tipo ciclo de división celular 2 1 (proteínas PITSLRE) (CDC2L1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005983	Proteína asociada a cinasa de fase S2 (P45) (SKP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032637	Proteína asociada a cinasa de fase S2 (P45) (SKP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_021968	Familia de histonas H4, miembro E (H4FE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002748	Proteína cinasa activada por mitógeno 6 (MAPK6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003527	Familia de histonas H2B, miembro N (H2BFN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001000	Proteína ribosómica L39 (RPL39) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000999	Proteína ribosómica L38 (RPL38) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000998	Proteína ribosómica L37a (RPL37A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000997	Proteína ribosómica L37 (RPL37) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022054	Canal de potasio, subfamilia K, miembro 13 (KCNK13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021161	Canal de potasio, subfamilia K, miembro 10 (TREK-2) (KCNK10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003944	Proteína de unión a selenio 1 (SELENBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033649	Factor de crecimiento de fibroblastos 18 (FGF18) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004114	Factor de crecimiento de fibroblastos 13 (FGF13) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1A, ARNm
NM_033642	Factor de crecimiento de fibroblastos 13 (FGF13) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1B, ARNm
NM_016279	Cadherina 9, tipo 2 (T1-cadherina) (CDH9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001796	Cadherina 8, tipo 2 (CDH8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031891	Cadherina 20, tipo 2 (CDH20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006727	Cadherina 10, tipo 2 (T2-cadherina) (CDH10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033671	Ciclina B3 (CCNB3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_033670	Ciclina B3 (CCNB3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033379	Ciclo de división celular 2, G1 a S y G2 a M (CDC2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001786	Ciclo de división celular 2, G1a S y G2 a M (CDC2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004361	Cadherina 7, tipo 2 (CDH7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_033646	Cadherina 7, tipo 2 (CDH7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_017734	Palmdelphin (PALMD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_052832	Familia de transportadores de solutos 26, miembro 7 (SLC26A7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018718	Específica de testículo, 14 (TSGA14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_015935	Proteína CGI-01 (CGI-01) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033120	Homólogo de naked cuticle 2 (<i>Drosophila</i>) (NKD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033031	Ciclina B3 (CCNB3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_012068	Factor de transcripción activador 5 (ATF5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019617	CA11 (LOC56287) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018398	Canal de calcio, dependiente de tensión, subunidad alfa 2/delta 3 (CACNA2D3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018319	Tirosil-ADN fosfodiesterasa (TDP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014404	Canal de calcio, dependiente de tensión, subunidad gamma 5 (CACNG5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014405	Canal de calcio, dependiente de tensión, subunidad gamma 4 (CACNG4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012114	Caspasa 14, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006985	Proteína que interacciona con complejo de poro nuclear (NPIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006816	Marco de lectura abierto 8 del cromosoma 5 (C5orf8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006539	Canal de calcio, dependiente de tensión, subunidad gamma 3 (CACNG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004347	Caspasa 5, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003862	Factor de crecimiento de fibroblastos 18 (FGF18) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_020770	Cingulina (KIAA1319) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030778	Proteína hipotética PRO1331 (PRO1331) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004927	Proteína ribosómica mitocondrial L49 (MRPL49) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031962	Proteína asociada a queratina 9.3 (KRTAP9.3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031961	Proteína asociada a queratina 9.2 (KRTAP9.2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033456	Canal de potasio, subfamilia K, miembro 7 (KCNK7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito E, ARNm
NM_031854	Proteína asociada a queratina 4.12 (KRTAP4.12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033455	Canal de potasio, subfamilia K, miembro 7 (KCNK7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito D, ARNm
NM_033348	Canal de potasio, subfamilia K, miembro 7 (KCNK7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito B, ARNm
NM_033347	Canal de potasio, subfamilia K, miembro 7 (KCNK7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A, ARNm
NM_033191	Proteína asociada a queratina 9.4 (KAP9.4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033061	Proteína asociada a queratina 4.7 (KAP4.7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_033188	Proteína asociada a queratina 4.5 (KAP4.5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033062	Proteína asociada a queratina 4.2 (KAP4.2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033059	Proteína asociada a queratina 4.14 (KAP4.14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033060	Proteína asociada a queratina 4.10 (KAP4.10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033643	Proteína ribosómica L36 (RPL36) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_015414	Proteína ribosómica L36 (RPL36) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_007209	Proteína ribosómica L35 (RPL35) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000996	Proteína ribosómica L35a (RPL35A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033637	Que contiene repetición de beta-transducina (BTRC) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033345	Regulador de señalización de proteína G 8 (RGS8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033543	Proteína hipotética R29124_1 (R29124_1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033186	Proteína asociada a queratina 4.13 (KAP4.13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033050	Receptor acoplado a proteína G 91 (GPR91) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032728	Proteína MGC12921 hipotética (MGC12921) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032910	Proteína MGC14136 hipotética (MGC14136) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032857	Proteína ribosómica mitocondrial L56 (MRPL56) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032640	Proteína MGC10526 hipotética (MGC10526) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032560	Proteína MSTP033 (MSTP033) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032524	Proteína asociada a queratina 4.4 (KRTAP4.4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032351	Proteína ribosómica mitocondrial L45 (MRPL45) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031963	Proteína asociada a queratina 9.8 (KRTAP9.8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031432	Uridina-citidina cinasa 1 (UCK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031289	Proteína MGC3146 hipotética (MGC3146) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031269	Proteína PRO1386 (PRO1386) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030975	Proteína asociada a queratina 9.9 (KRTAP9.9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030817	Proteína DKFZp434F0318 hipotética (DBCZFp434F0318) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017970	Proteína FLJ10008 hipotética (FLJ10008) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024510	Proteína MGC4368 hipotética (MGC4368) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024325	Proteína MGC10715 hipotética (MGC10715) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023914	Receptor acoplado a proteína G 86 (GPR86) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_022915	Proteína ribosómica mitocondrial L44 (MRPL44) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022469	Proteína FLJ21195 similar a proteína relacionada con DAC y cerberus (FLJ21195) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022344	Proteína cinasa Njmu-R1 (NJMU-R1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002924	Regulador de señalización de proteína G 7 (RGS7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020402	Receptor colinérgico, nicotínico, polipéptido alfa 10 (CHRNA10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015420	Proteína DKFZP564O0463 hipotética (DKFZP564O0463) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016355	Proteína hqp0256 (LOC51202) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020370	Receptor acoplado a proteína G 84 (GPR84) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019016	Proteína hipotética (FLJ20261) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017872	Proteína FLJ20546 hipotética (FLJ20546) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018373	Proteína FLJ1 1271 hipotética (FLJ11271) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018277	Proteína FLJ10932 hipotética (FLJ10932) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018242	Proteína FLJ10847 (FLJ10847) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016055	Proteína ribosómica mitocondrial L48 (MRPL48) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016468	Proteína hipotética (LOC51241) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014099	Proteína PRO1768 (PRO1768) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014964	Proteína KIAA1065 (KIAA1065) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014859	Producto génico de KIAA0672 (KIAA0672) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014174	Proteína HSPC144 (HSPC144) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014156	Proteína DKFZP564O0463 hipotética (DKFZP564O0463) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015544	Proteína DKFZP564K1964 hipotética (DKFZP564K1964) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015681	Proteína B9 (B9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012301	Proteína que interacciona con atrofin-11; proteína que interacciona con receptor de activina 1 (KIAA0705) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006856	Factor de transcripción activador 7 (ATF7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005714	Canal de potasio, subfamilia K, miembro 7 (KCNK7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito C, ARNm
NM_005756	Receptor acoplado a proteína G 64 (GPR64) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005267	Proteína de unión comunicante, alfa 8, 50 kD (conexina 50) (GJA8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003457	Proteína de dedo de cinc 207 (ZNF207) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003184	Factor asociado a proteína de unión a caja TATA (TBP), ARN polimerasa E, B, 150 kD (TAF2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003079	Regulador de cromatina dependiente de actina, asociada a matriz, relacionada con SWI/SNF, subfamilia e, miembro 1 (SMARCE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002815	Subunidad 26S de proteasoma (prosome, macropáina), no ATPasa, 11 (PSMD11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002577	Cinasa activada por p21 (CDKN1A) 2 (PAK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003867	Factor de crecimiento de fibroblastos 17 (FGF17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003885	Cinasa dependiente de ciclina 5, subunidad reguladora 1 (P35) (CDK5R1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003939	Que contiene repetición de beta-transducina (BTRC) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001208	Tipo factor de transcripción básico 3, 1 (BTF3L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033500	Hexocinasa 1 (HK1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_033498	Hexocinasa 1 (HK1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_033497	Hexocinasa 1 (HK1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_033496	Hexocinasa 1 (HK1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_033640	Que contiene dominio SCAN 2 (SCAND2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 6, ARNm
NM_033636	Que contiene dominio SCAN 2 (SCAND2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_033635	Que contiene dominio SCAN 2 (SCAND2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_033634	Que contiene dominio SCAN 2 (SCAND2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033633	Que contiene dominio SCAN 2 (SCAND2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_022050	Que contiene dominio SCAN 2 (SCAND2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033467	Tipo metalo-endopeptidasa de membrana 2 (MMEL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032409	Cinasa putativa inducida por PTEN 1 (PINK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013267	Glutaminasa de células de mama (GA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004729	Elemento transposable tipo Ac (ALTE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004192	Tipo acetilseroanina O-metiltransferasa (ASMTL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002115	Hexocinasa 3 (glóbulo blanco) (HK3) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_000188	Hexocinasa 1 (HK1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004728	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 21 (DDX21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022148	Factor tipo receptor de citocina 2 (CRLF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022337	RAB38, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB38) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016428	Proteína NESH (NESH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016227	Fase abierta de lectura 9 del cromosoma 1 (C1orf9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014283	Marco de lectura abierto 9 del cromosoma 1 (C1orf9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018475	Locus regulado por TPA (TPARL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020461	Componente de complejo de gamma-tubulina (GCP6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030934	Marco de lectura abierto 25 del cromosoma 1 (C1orf25) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030933	Marco de lectura abierto 14 del cromosoma 1 (C1orf14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030769	Marco de lectura abierto 13 del cromosoma 1 (C1orf13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016604	Marco de lectura abierto 7 del cromosoma 5 (C5orf7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016605	Marco de lectura abierto 6 del cromosoma 5 (C5orf6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016603	Marco de lectura abierto 5 del cromosoma 5 (C5orf5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014144	Marco de lectura abierto 21 del cromosoma 11 (C11orf21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033508	Glucocinasa (hexocinasa 4, diabetes de aparición en madurez de los jóvenes 2) (GCK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_033507	Glucocinasa (hexocinasa 4, diabetes de aparición en madurez de los jóvenes 2) (GCK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_000162	Glucocinasa (hexocinasa 4, diabetes de aparición en madurez de los jóvenes 2) (GCK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_025241	Que contiene dominio UBX 1 (UBXD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002098	Activador de guanilato ciclasa 1B (retina) (GUCA1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003137	Proteína cinasa SFRS 1 (SRPK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003064	Inhibidor de proteasa de leucocitos secretores (antileucoproteína) (SLPI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033484	Sólo proteína de caja F 4 (FBXO4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_012176	Sólo proteína de caja F 4 (FBXO4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000400	Deficiencia reparadora de roedor de complementación cruzada con reparación de escisión, grupo de complementación 2 (xerodermia pigmentosa D) (ERCC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014266	Proteína de activación de ADN10 (DAP10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002821	Proteína tirosina cinasa PTK7 7 (PTK7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_033502	Proteína de regulación transcripcional 132 (TReP-132) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033501	Proteína de regulación transcripcional 132 (TReP-132) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018415	Proteína de regulación transcripcional 132 (TReP-132) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_000994	Proteína ribosómica L32 (RPL32) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033437	Fosfodiesterasa 5A, específica de GMPc (PDE5A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033431	Fosfodiesterasa 5A, específica de GMPc (PDE5A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_033430	Fosfodiesterasa 5A, específica de GMPc (PDE5A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001083	Fosfodiesterasa 5A, específica de GMPc (PDE5A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000189	Hexocinasa 2 (HK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033185	Proteína asociada a queratina 3.3 (KAP3.3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031959	Proteína asociada a queratina 3.2 (KRTAP3.2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033481	Sólo proteína de caja F 9 (FBXO9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033480	Sólo proteína de caja F 9 (FBXO9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_012347	Sólo proteína de caja F 9 (FBXO9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033506	Sólo proteína de caja F 24 (FBXO24) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_012172	Sólo proteína de caja F 24 (FBXO24) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_012179	Sólo proteína de caja F 7 (FBXO7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018438	Sólo proteína de caja F 6 (FBXO6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012177	Sólo proteína de caja F 5 (FBXO5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032145	Proteína de caja F 30 (FBXO30) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003813	Dominio de disintegrina a y metaloproteínasa 21 (ADAM21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003814	Un dominio de disintegrina a y metaloproteínasa 20 (ADAM20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015698	Proteína T54 (T54) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033222	Proteína que interacciona con PC4 y SFRS1 2 (PSIP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002887	Arginil-ARNt sintetasa (RARS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033084	Anemia de Fanconi, grupo de complementación D2 (FANCD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014005	Protocadherina alfa 9 (PCDHA9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018902	Protocadherina alfa 11 (PCDHA11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_031882	Subfamilia de protocadherina alfa C, 1 (PCDHAC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018898	Subfamilia de protocadherina alfa C, 1 (PCDHAC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031883	Subfamilia de protocadherina alfa C, 2 (PCDHAC2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018899	Subfamilia de protocadherina alfa C, 2 (PCDHAC2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_019119	Protocadherina beta 9 (PCDHB9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018916	Subfamilia de protocadherina gamma A, 3 (PCDHGA3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032704	Tubulina alfa 6 (TUBA6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032407	Subfamilia de protocadherina gamma C, 5 (PCDHGC5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018929	Subfamilia de protocadherina gamma C, 5 (PCDHGC5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032406	Subfamilia de protocadherina gamma C, 4 (PCDHGC4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018928	Subfamilia de protocadherina gamma C, 4 (PCDHGC4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032101	Subfamilia de protocadherina gamma B, 7 (PCDHGB7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018927	Subfamilia de protocadherina gamma B, 7 (PCDHGB7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032099	Subfamilia de protocadherina gamma B, 5 (PCDHGB5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018925	Subfamilia de protocadherina gamma B, 5 (PCDHGB5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032100	Subfamilia de protocadherina gamma B, 6 (PCDHGB6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018926	Subfamilia de protocadherina gamma B, 6 (PCDHGB6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032097	Subfamilia de protocadherina gamma B, 3 (PCDHGB3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018924	Subfamilia de protocadherina gamma B, 3 (PCDHGB3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032096	Subfamilia de protocadherina gamma B, 2 (PCDHGB2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018923	Subfamilia de protocadherina gamma B, 2 (PCDHGB2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032095	Subfamilia de protocadherina gamma B, 1 (PCDHGB1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018922	Subfamilia de protocadherina gamma B, 1 (PCDHGB1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032089	Subfamilia de protocadherina gamma A, 9 (PCDHGA9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018921	Subfamilia de protocadherina gamma A, 9 (PCDHGA9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032088	Subfamilia de protocadherina gamma A, 8 (PCDHGA8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_014004	Subfamilia de protocadherina gamma A, 8 (PCDHGA8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032853	Proteína FLJ14868 hipotética (FLJ14868) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032589	Gen 8 de región crítica de síndrome de Down (DSCR8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032087	Subfamilia de protocadherina gamma A, 7 (PCDHGA7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018920	Subfamilia de protocadherina gamma A, 7 (PCDHGA7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032086	Subfamilia de protocadherina gamma A, 6 (PCDHGA6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018919	Subfamilia de protocadherina gamma A, 6 (PCDHGA6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032054	Subfamilia de protocadherina gamma A, 5 (PCDHGA5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018918	Subfamilia de protocadherina gamma A, 5 (PCDHGA5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032053	Subfamilia de protocadherina gamma A, 4 (PCDHGA4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018917	Subfamilia de protocadherina gamma A, 4 (PCDHGA4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032011	Subfamilia de protocadherina gamma A, 3 (PCDHGA3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032009	Subfamilia de protocadherina gamma A, 2 (PCDHGA2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018915	Subfamilia de protocadherina gamma A, 2 (PCDHGA2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_031993	Subfamilia de protocadherina gamma A, 1 (PCDHGA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032092	Subfamilia de protocadherina gamma A, 11 (PCDHGA11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_018912	Subfamilia de protocadherina gamma A, 1 (PCDHGA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
>fM_032091	Subfamilia de protocadherina gamma A, 11 (PCDHGA11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018914	Subfamilia de protocadherina gamma A, 11 (PCDHGA11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032090	Subfamilia de protocadherina gamma A, 10 (PCDHGA10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018913	Subfamilia de protocadherina gamma A, 10 (PCDHGA10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_019120	Protocadherina beta 8 (PCDHB8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018940	Protocadherina beta 7 (PCDHB7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018939	Protocadherina beta 6 (PCDHB6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015669	Protocadherina beta 5 (PCDHB5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018938	Protocadherina beta 4 (PCDHB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018937	Protocadherina beta 3 (PCDHB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018936	Protocadherina beta 2 (PCDHB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013340	Protocadherina beta 1 (PCDHB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020957	Protocadherina beta 16 (PCDHB16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018935	Protocadherina beta 15 (PCDHB15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018934	Protocadherina beta 14 (PCDHB14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018933	Protocadherina beta 13 (PCDHB13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018932	Protocadherina beta 12 (PCDHB12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018931	Protocadherina beta 11 (PCDHB11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018930	Protocadherina beta 10 (PCDHB10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031857	Protocadherina alfa 9 (PCDHA9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031856	Protocadherina alfa 8 (PCDHA8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018911	Protocadherina alfa 8 (PCDHA8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031852	Protocadherina alfa 7 (PCDHA7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018910	Protocadherina alfa 7 (PCDHA7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031501	Protocadherina alfa 5 (PCDHA5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018908	Protocadherina alfa 5 (PCDHA5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031500	Protocadherina alfa 4 (PCDHA4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018907	Protocadherina alfa 4 (PCDHA4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031497	Protocadherina alfa 3 (PCDHA3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018906	Protocadherina alfa 3 (PCDHA3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031496	Protocadherina alfa 2 (PCDHA2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_031495	Protocadherina alfa 2 (PCDHA2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018905	Protocadherina alfa 2 (PCDHA2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031411	Protocadherina alfa 1 (PCDHA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_031410	Protocadherina alfa 1 (PCDHA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018900	Protocadherina alfa 1 (PCDHA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031865	Protocadherina alfa 13 (PCDHA13) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018904	Protocadherina alfa 13 (PCDHA13) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031849	Protocadherina alfa 6 (PCDHA6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_031864	Protocadherina alfa 12 (PCDHA12) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_031848	Protocadherina alfa 6 (PCDHA6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018903	Protocadherina alfa 12 (PCDHA12) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031861	Protocadherina alfa 11 (PCDHA11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018909	Protocadherina alfa 6 (PCDHA6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031860	Protocadherina alfa 10 (PCDHA10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_031859	Protocadherina alfa 10 (PCDHA10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_018901	Protocadherina alfa 10 (PCDHA10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_015429	Proteína DKFZP586L2024 (NESHBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031481	Familia de transportadores de solutos 25, (transportador mitocondrial), miembro 18 (SLC25A18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031442	Proteína de membrana celular de cerebro 1 (BCMP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030762	Clase B, que contiene dominio hélice-bucle-hélice básico, 3 (BHLHB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023035	Canal de calcio, dependiente de tensión, tipo P/Q, subunidad alfa 1A (CACNA1A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014487	Proteína rica en cisteína nucleolar (HSA6591) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025239	Ligando de muerte programada 2 (PDL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024859	Proteína FLJ21687 (FLJ21687) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000575	Interleucina 1, alfa (IL1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005348	Proteína de choque térmico de 90 kD 1, alfa (HSPCA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006900	Interferón, alfa 13 (IFNA13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023067	Factor de transcripción de forkhead FOXL2 (BPES) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022552	ADN (citosina-5-)-metiltransferasa 3 alfa (DNMT3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022346	Proteína de condensación del cromosoma G (HCAP-G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022119	Proteasa, serina, 22 (PRSS22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022062	Caja homeótica 2 de PBX/knotted 1 (PKNOX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018665	Proteína de caja DEAD (HAGE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004614	Timidina cinasa 2, mitocondrial (TK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020346	Familia de transportadores de solutos 17 (dependiente de sodio cotransportador de fosfato inorgánico), miembro 6 (SLC17A6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020309	Familia de transportadores de solutos 17 (dependiente de sodio cotransportador de fosfato inorgánico), miembro 7 (SLC17A7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020131	Marco de lectura abierto 6 del cromosoma 1 (C1orf6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017444	Complejo de accesibilidad a cromatina 1 (CHRA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016260	Proteína de dedo de cinc, subfamilia 1A, 2 (Helios) (ZNFN1A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015510	Proteína DKFZP566O084 (DKFZp566O084) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014433	Gen de región de delección de tumor rabdoide 1 (RTDR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014312	Tipo receptor de timocitos corticales (X. laevis CTX) (CTXL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004539	Asparaginil-ARNt sintetasa (NARS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013284	Polimerasa (dirigida a ADN), mu (POLM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013274	Polimerasa (dirigida a ADN), lambda (POLL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003235	Tiroglobulina (TG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001963	Factor de crecimiento epidérmico (beta-urogastrona) (EGF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007158	Gen relacionado con NRAS (D1S155E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007000	Uroplaquina 1A (UPK1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006947	Partícula de reconocimiento de señal 72 kD (SRP72) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006892	ADN (citosina-5-)-metiltransferasa 3 beta (DNMT3B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006760	Uroplaquina 2 (UPK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006691	Que contiene dominio de unión extracelular 1 (XLKD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006572	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), alfa 13 (GNA13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006494	Factor represor de Ets2 (ERF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006352	Proteína de dedo de cinc 238 (ZNF238) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006082	Tubulina, alfa, ubicua (K-ALPHA-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005084	Fosfolipasa A2, grupo VII (factor activador de plaquetas acetilhidrolasa, plasma) (PLA2G7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004999	Miosina VI (MYO6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004937	Cistinosis, nefropática (CTNS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004212	Familia de transportadores de solutos 28 (transportador de nucleósidos acoplado a sodio), miembro 2 (SLC28A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004555	Factor nuclear de linfocitos T activados, citoplásmico, dependiente de calcineurina 3 (NFATC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004554	Factor nuclear de linfocitos T activados, citoplásmico, dependiente de calcineurina 4 (NFATC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000695	Familia de aldehído deshidrogenasa 3, miembro B2 (ALDH3B2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000373	Uridina monofosfosintetasa (orotatofosforibosiltransferasa y orotidina-5'-descarboxilasa) (UMPS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003332	Proteína de unión a proteína tirosina cinasa TYRO (TYROBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000367	Tiopurina S-metiltransferasa (TPMT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001250	Superfamilia del receptor de factor de necrosis tumoral, miembro 5 (TNFRSF5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002880	Homólogo de oncogén vírico de leucemia murina v-raf-1 1 (RAF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003978	Proteína que interacciona con prolina-serina-treonina fosfatasa 1 (PSTPIP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003627	Gen expreso en exceso en cáncer de próstata 1 (POV1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002557	Glucoproteína oviductal 1, 120 kD (mucina 9, oviductina) (OVGP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002541	Oxoglutarato (alfa-cetoglutarato) deshidrogenasa (lipoamida) (OGDH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000406	Receptor de hormona liberadora de gonadotropina (GNRHR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001979	Epóxido hidrolasa 2, citoplásmica (EPHX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001761	Ciclina F (CCNF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001190	Aminotransferasa de cadena ramificada 2, mitocondrial (BCAT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000485	Adenina fosforibosiltransferasa (APRT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033514	Pinch-2 (LOC96626) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033495	Proteína KIAA1309 (KJAA1309) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022436	Casete de unión a ATP, sub-familia G (WHITE), miembro 5 (esterolina 1) (ABCG5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016333	Matriz repetitiva de serina/arginina 2 (SRRM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012412	Histona H2A, variante F/Z (H2AV) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001897	Proteoglucano de condroitín sulfato 4 (asociado a melanoma) (CSPG4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031420	Proteína ribosómica mitocondrial L9 (MRFL9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020393	Proteína hipotética SBB167 (LOC57115) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015956	Proteína ribosómica mitocondrial L4 (MRPL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004537	Tipo proteína de ensamblaje del nucleosoma 1 1 (NAP1L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033504	CAC-1 (CAC-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033503	Factor modificador de Bcl-2 (BMF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022059	Ligando 16 de quimiocina (motivo C-X-C) (CXCL16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022048	Caseína cinasa 1, gamma 1 (CSNK1G1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019009	Proteína que interacciona con Toll (TOLLIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018058	Proteína ácida de cartílago1 (CRTAC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017443	Polimerasa (dirigida a ADN), épsilon 3 (subunidad p17) (POLE3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007359	Proteína MLN51 (MLN51) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030956	Receptor tipo toll 10 (TLR10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020653	Proteína de dedo de cinc 287 (ZNF287) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020652	Proteína de dedo de cinc 286 (ZNF286) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020365	Factor de inicio de la traducción eucariota 2B, subunidad 3 (gamma, 58 kD) (E1F2B3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013432	Tipo inhibidor de factor nuclear de gen potenciador de polipéptido ligero kappa en linfocitos B 2 (NFKBIL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003740	Canal de potasio, subfamilia K, miembro 5 (TASK-2) (KCNK5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033311	Canal de potasio rectificado internamente, subfamilia K, miembro 4 (KCNK4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_033310	Canal de potasio rectificado internamente, subfamilia K, miembro 4 (KCNK4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_016611	Canal de potasio rectificado internamente, subfamilia K, miembro 4 (KCNK4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033360	Homólogo de oncogén vírico de sarcoma de rata Kirsten 2v-Ki-ras2 (KRAS2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_004985	Homólogo de oncogén vírico de sarcoma de rata Kirsten 2v-Ki-ras2 (KRAS2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_022442	Enzima conjugadora de ubiquitina E2 variante 1 (UBE2V1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_021988	Enzima conjugadora de ubiquitina E2 variante 1 (UBE2V1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_003349	Enzima conjugadora de ubiquitina E2 variante 1 (UBE2V1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003546	Familia de histonas H4, miembro K (H4FK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003541	Familia de histonas H4, miembro D (H4FD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003536	Familia de histonas H3, miembro K (H3FX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003535	Familia de histonas H3, miembro J (H3FJ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003533	Familia de histonas H3, miembro F (H3FF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003521	Familia de histonas H2B, miembro E (H2BFE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003520	Familia de histonas H2B, miembro D (H2BFD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003519	Familia de histonas H2B, miembro C (H2BFC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003514	Familia de histonas H2A, miembro N (H2AFN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003511	Familia de histonas H2A, miembro I (H2AFI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005322	Familia de histonas H1, miembro 5 (H1F5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021066	Familia de histonas H2A, miembro E (H2AFE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003510	Familia de histonas H2A, miembro D (H2AFD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003509	Familia de histonas H2A, miembro C (H2AFC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033358	Caspasa 8, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito E, ARNm
NM_033357	Caspasa 8, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito D, ARNm
NM_033356	Caspasa 8, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito C, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_033355	Caspasa 8, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito B, ARNm
NM_001228	Caspasa 8, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A, ARNm
NM_033340	Caspasa 7, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta, ARNm
NM_033339	Caspasa 7, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito gamma, ARNm
NM_033338	Caspasa 7, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito delta, ARNm
NM_001227	Caspasa 7, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito alfa, ARNm
NM_001005	Proteína ribosómica S3 (RPS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006013	Proteína ribosómica L10 (RPL10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013368	Transactivador de unión a RPA (RBT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002286	Gen de activación de linfocitos3 (LAG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005546	Cinasa de linfocitos T inducible por IL2 (ITK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005538	Inhibina, beta C (INHBC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033257	Tipo gen de región crítica de síndrome de DiGeorge 6 (DGCR6L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001917	D-amino-ácido oxidasa (DAO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001629	Proteína activadora de araquidonato 5-lipoxigenasa (ALOX5AP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000024	Receptor adrenérgico, beta-2-, superficie (ADRB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000683	Receptor adrenérgico, alfa-2C-, (ADRA2C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000682	Receptor adrenérgico, alfa-2B-, (ADRA2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000681	Receptor adrenérgico, alfa-2A-, (ADRA2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006179	Neurotrofina 5 (neurotrofina 4/5) (NTF5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033277	Lacritina (LACRT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022128	Ribocinasa (RBSK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004823	Canal de potasio, subfamilia K, miembro 6 (TWIK-2) (KCNK6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002246	Canal de potasio, subfamilia K, miembro 3 (TASK-1) (KCNK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032405	Proteasa transmembrana, serina 3 (TMPRSS3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito D, ARNm
NM_032404	Proteasa transmembrana, serina 3 (TMPRSS3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito C, ARNm
NM_032401	Proteasa transmembrana, serina 3 (TMPRSS3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito B, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_024022	Proteasa transmembrana, serina 3 (TMPRSS3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A, ARNm
NM_016234	Ácido graso-Coenzima A ligasa, cadena larga 5 (FACL5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006883	Caja homeótica de estatura corta (SHOX) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito SHOXb, ARNm
NM_000451	Caja homeótica de estatura corta (SHOX) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito SHOXa, ARNm
NM_006476	ATP sintasa, transporte de H ⁺ , complejo mitocondrial F0, subunidad g (ATP5L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006356	ATP sintasa, transporte de K ⁺ , complejo mitocondrial F0, subunidad d (ATP5H) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024683	Proteína FLJ22729 hipotética (FLJ22729) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033468	Proteína de dedo de cinc 257 (ZNF257) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033453	Inosina trifosfatasa (nucleósido trifosfato pirofosfatasa) (ITA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032144	RAB6C, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB6C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031296	RAB33B, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB33B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022570	Lectina tipo C (dominio de reconocimiento de hidratos de carbono dependiente de calcio), miembro de superfamilia 12 (CLECSF12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022825	Porcupina (MG61) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022449	RAB17, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016322	RAB14, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006331	Proteína C2f (C2F) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007066	Proteína cinasa (dependiente de AMPc, catalítica) inhibidor gamma (PKIG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002732	Proteína cinasa, dependiente de AMPc, catalítica, gamma (PRKACG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005055	Proteína asociada a receptor de la sinapsis, 43 kD (RAPSN) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032645	Proteína asociada a receptor de la sinapsis, 43 kD (RAPSN) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_033305	Corea acantocitosis (CHAC) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A, ARNm
NM_015186	Corea acantocitosis (CHAC) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito B, ARNm
NM_004624	Receptor de péptido vasoactivo intestinal 1 (VIPR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030967	Proteína asociada a queratina 1.1 (KRTAP1.1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015696	Débilmente similar a glutatión peroxidasa 2 (CL683) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031885	Síndrome de Bardet-Biedl 2 (BBS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030966	Proteína asociada a queratina 1.3 (KRTAP1.3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_007083	Motivo tipo nudix (resto ligado a nucleósido difosfato X) 6 (NUDT6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013317	Glucoproteína asociada a membrana celular tipo pulmonar I (T1A-2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_006474	Glucoproteína asociada a membrana celular tipo pulmonar I (T1A-2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_006275	Factor de corte y empalme, rico en arginina/serina 6 (SFRS6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016041	Proteína CGI-101 (F-LAN-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001954	Familia del receptor de dominio de discoidina, miembro 1 (DDR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_013994	Familia del receptor de dominio de discoidina, miembro 1 (DDR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_013993	Familia del receptor de dominio de discoidina, miembro 1 (DDR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_022117	Antígeno tumoral asociado a linfoma de linfocitos T cutáneo se20-4; proteína diana TGF-beta1 nucleolar expresada de forma diferencial (DENTT) (SE20-4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003048	Familia de transportadores de solutos 9 (intercambiador de sodio/hidrógeno), isoforma 2 (SLC9A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001971	Elastasa 1, pancreática (ELA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033412	Proteína hipotética similar a CG7943 (MGC14836) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033420	Proteína MGC4022 (R32184_3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033408	Proteína MBC3205 hipotética (MBC3205) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014395	Adaptador dual de fosfotirosina y 3-fosfoinositidas (DAPP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003918	Glucogenina 2 (GYG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001502	Glucoproteína 2 (membrana de gránulo de zimógeno) (GP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006362	Factor de exportación de ARN nuclear 1 (NXF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033155	Factor de exportación de ARN nuclear 5 (NXF5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_033154	Factor de exportación de ARN nuclear 5 (NXF5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_033153	Factor de exportación de ARN nuclear 5 (NXF5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033152	Factor de exportación de ARN nuclear 5 (NXF5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032946	Factor de exportación de ARN nuclear 5 (NXF5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_022052	Factor de exportación de ARN nuclear 3 (NXF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021808	UDP-N-acetil-alfa-D-galactosamina:polipéptido N-acetilgalactosaminiltransferasa 9 (GalNAc-T9) (GALNT9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017840	Proteína ribosómica mitocondrial L16 (MRPL16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_017417	UDP-N-acetil-alfa-D-galactosamina:polipéptido N-acetilgalactosaminiltransferasa 8 (GalNAc-T8) (GALNT8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004261	Selenoproteína de 15 kDa (SEP 15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021998	Proteína de dedo de cinc 6 (CMPX1) (ZNF6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004570	Fosfoinosítido-3-cinasa, clase 2, polipéptido gamma (PIK3C2G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002646	Fosfoinosítido-3-cinasa, clase 2, polipéptido beta (PIK3C2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004598	Sparc/osteonectina, proteoglicano de dominios tipo cwcw y kazal (testicano) (SPOCK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033135	Factor de crecimiento derivado de médula espinal-B (SCDGF-B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_025208	Factor de crecimiento derivado de médula espinal-B (SCDGF-B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033346	Receptor de proteína morfogenética del hueso, tipo II (serina/treonina cinasa) (BMPR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001204	Receptor de proteína morfogenética del hueso, tipo II (serina/treonina cinasa) (BMPR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_003933	Proteína asociada a BAI1 3 (BAIAP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005467	Dipeptidasa ácida unida a alfa N-acetilada 2 (NAALAD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005944	Antígeno identificado por anticuerpo monoclonal MRC OX-2 (MOX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002245	Canal de potasio, subfamilia K, miembro 1 (TWIK-1) (KCNK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005247	Factor de crecimiento de fibroblastos 3 (homólogo de oncogén de sitio de integración de virus de tumor mamario murino (v-int-2)) (FGF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002006	Factor de crecimiento de fibroblastos 2 (básico) (FGF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000647	Receptor de quimiocina (motivo C-C) 2 (CCR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A, ARNm
NM_032047	UDP-GlcNAc:betaGal beta-1,3-N-acetilglucosaminiltransferasa 5 (B3GNT5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014256	UDP-GlcNAc:betaGal beta-1,3-N-acetilglucosaminiltransferasa 3 (B3GNT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015904	Factor de inicio de la traducción IF2 (IF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005326	Hidroxiacilglutación hidrolasa (HAGH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013445	Glutamato descarboxilasa 1 (cerebro, 67 kD) (GAD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito GAD25, ARNm
NM_033173	UDP-Gal:betaGlcNAc beta 1,3-galactosiltransferasa, polipéptido 5 (B3GALT5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_033172	UDP-Gal:betaGlcNAc beta 1,3-galactosiltransferasa, polipéptido 5 (B3GALT5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_033171	UDP-Gal:betaGlcNAc beta 1,3-galactosiltransferasa, polipéptido 5 (B3GALT5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033170	UDP-Gal:betaGlcNAc beta 1,3-galactosiltransferasa, polipéptido 5 (B3GALT5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_033169	UDP-Gal:betaGlcNAc beta 1,3-galactosiltransferasa, polipéptido 3 (B3GALT3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_033168	UDP-Gal:betaGlcNAc beta 1,3-galactosiltransferasa, polipéptido 3 (B3GALT3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033167	UDP-Gal:betaGlcNAc beta 1,3-galactosiltransferasa, polipéptido 3 (B3GALT3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003781	UDP-Gal:betaGlcNAc beta 1,3-galactosiltransferasa, polipéptido 3 (B3GALT3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_003782	UDP-Gal:betaGlcNAc beta 1,3-galactosiltransferasa, polipéptido 4 (B3GALT4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003783	UDP-Gal:betaGlcNAc beta 1,3-galactosiltransferasa, polipéptido 2 (B3GALT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004631	Proteína relacionada con receptor de lipoproteína de baja densidad 8, receptor de apolipoproteína e (LRP8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033300	Proteína relacionada con receptor de lipoproteína de baja densidad 8, receptor de apolipoproteína e (LRP8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_017522	Proteína relacionada con receptor de lipoproteína de baja densidad 8, receptor de apolipoproteína e (LRP8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033323	Transportador de bicarbonato sódico 4 (NBC4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_033337	Caveolina 3 (CAV3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001234	Caveolina 3 (CAV3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001233	Caveolina 2 (CAV2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001753	Caveolina 1, proteína de caveolas, 22 kD (CAV1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033291	Midline 1 (síndrome de Opitz/BBB) (MIDI) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_033290	Midline 1 (síndrome de Opitz/BBB) (MIDI) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033274	Dominio de disintegrina a y metaloproteínasa 19 (meltrina beta) (ADAM19) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_023038	Dominio de disintegrina a y metaloproteínasa 19 (meltrina beta) (ADAM19) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033308	Casete de unión a ATP, sub-familia A (ABC1), miembro 7 (ABCA7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_019112	Casete de unión a ATP, sub-familia A (ABC1), miembro 7 (ABCA7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_002609	Receptor de factor de crecimiento derivado de plaquetas, polipéptido beta (PDGFRB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006206	Receptor de factor de crecimiento derivado de plaquetas, polipéptido alfa (PDGFRA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033016	Factor de crecimiento derivado de plaquetas, polipéptido beta (homólogo de oncogén vírico de sarcoma de simio (v-sis)) (PDGFB) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000678	Receptor adrenérgico, alfa-ID-, (ADRAID) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000679	Receptor adrenérgico, alfa-IB-, (ADRAIB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002675	Leucemia promielocítica (PML) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 6, ARNm
NM_033250	Leucemia promielocítica (PML) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 11, ARNm
NM_033249	Leucemia promielocítica (PML) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 10, ARNm
NM_033247	Leucemia promielocítica (PML) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 8, ARNm
NM_033246	Leucemia promielocítica (PML) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 7, ARNm
NM_033245	Leucemia promielocítica (PML) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 12, ARNm
NM_033244	Leucemia promielocítica (PML) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_033242	Leucemia promielocítica (PML) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033240	Leucemia promielocítica (PML) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_033239	Leucemia promielocítica (PML) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 9, ARNm
NM_033238	Leucemia promielocítica (PML) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033304	Receptor adrenérgico, alfa-1A-, (ADRA1A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_033303	Receptor adrenérgico, alfa-1A-, (ADRA1A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_033302	Receptor adrenérgico, alfa-1A-, (ADRA1A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033279	Proteína de dedo anular 22 (RNF22) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito gamma, ARNm
NM_033278	Proteína de dedo anular 22 (RNF22) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta, ARNm
NM_000737	Gonadotropina coriónica, polipéptido beta (CGB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033295	Caspasa 1, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (interleucina 1, beta, convertasa) (CASP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito épsilon, ARNm,
NM_033294	Caspasa 1, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (interleucina 1, beta, convertasa) (CASP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito delta, ARNm
NM_033293	Caspasa 1, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (interleucina 1, beta, convertasa) (CASP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito gamma, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_033292	Caspasa 1, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (interleucina 1, beta, convertasa) (CASP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito alfa, ARNm
NM_001223	Caspasa 1, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (interleucina 1, beta, convertasa) (CASP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta, ARNm
NM_006771	Queratina, pelo, ácida, 8 (KRTHA8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002280	Queratina, pelo, ácida, 5 (KRTHA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000526	Queratina 14 (epidermólisis bullosa simple, Dowling-Meara, Koebner) (KRT14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033301	Proteína ribosómica L8 (RPL8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000973	Proteína ribosómica L8 (RPL8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000661	Proteína ribosómica L9 (RPL9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007104	Proteína ribosómica L10a (RPL10A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033255	Interacción de estroma epitelial 1 (pecho) (EPSTI1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021196	Transportador de bicarbonato sódico 4 (NBC4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_032241	Proteína ribosómica L10 (RPL10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030955	Tipo disintegrina a y metaloproteasa (tipo repolisina) con motivo trombospondina tipo 1, 12 (ADAMTS12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030765	UDP-GlcNAc:betaGal beta-1,3-N-acetilglucosaminiltransferasa 4 (B3GNT4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014670	Proteína básica de cremallera de leucina BZAP45 (BZAP45) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013379	Dipeptidilpeptidasa 7 (DPP7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006458	Proteína de dedo anular 22 (RNF22) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito alfa, ARNm
NM_006057	UDP-Gal:betaGlcNAc beta 1,3-galactosiltransferasa, polipéptido 5 (B3GALT5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000648	Receptor de quimiocina (motivo C-C) 2 (CCR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito B, ARNm
NM_000381	Midline 1 (síndrome de Opitz/BBB) (MID1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_002645	Fosfoinosítido-3-cinasa, clase 2, polipéptido alfa (PIK3C2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002608	Polipéptido beta de factor de crecimiento derivado de plaquetas (homólogo de oncogén vírico de sarcoma de simio (v-sis)) (PDGFB) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001134	Fetoproteína alfa (AFP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000680	Receptor adrenérgico, alfa-1A-, (ADRA1A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_023929	Proteína de dedo de cinc RINZF (RINZF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020353	Fosfolípido escramblasa 4 (PLSCR4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_020359	Fosfolípido escramblasa 2 (PLSCR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018494	Rico en leucina y que contiene dominio de muerte (LRDD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004998	Miosina IE (MYO1E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033226	Casete de unión a ATP, sub-familia C (CFTR/MRP), miembro 12 (ABCC12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032105	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora (inhibidora) 12B (PPP1R12B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032104	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora (inhibidora) 12B (PPP1R12B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_032103	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora (inhibidora) 12B (PPP1R12B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_002481	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora (inhibidora) 12B (PPP1R12B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004689	Asociada a metástasis 1 (MTA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006005	Síndrome de Wolfram 1 (wolframina) (WFS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015722	Calcyon; proteína que interacciona con receptor de dopamina D1 (CALCYON) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004184	Triptofanil-ARNt sintetasa (WARS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014228	Familia de transportadores de solutos 6 (transportador de neurotransmisor, L-prolina), miembro 7 (SLC6A7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005823	Mesotelina (MSLN) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_013404	Mesotelina (MSLN) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_012341	Proteína de unión a proteína GCRFG (CRFG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002480	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora (inhibidora) 12A (PPP1R12A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003868	Factor de crecimiento de fibroblastos 16 (FGF16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018979	Proteína cinasa, deficiente en lisina 1 (PRKWNK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022127	Familia de transportadores de solutos 28 (transportador de nucleósidos acoplado a sodio), miembro 3 (SLC28A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005517	Proteína de grupo de alta movilidad (cromosómica no de histona) 17 (HMG17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022465	Proteína de dedo de cinc, subfamilia 1A, 4 (Eos) (ZNFN1A4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005768	Proteína putativa similar a nesy (Drosophila) (C3F) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033199	Péptido relacionado con estrescopina (SRP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032243	Que contiene dominio de tiorredoxina 2 (espermatozoos) (TXNDC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_031433	Proteína relacionada con frizzled de tipo membrana (MFRP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022466	Proteína de dedo de cinc, subfamilia 1A, 5 (Pegasus) (PEGASUS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004320	ATPasa, transporte de Ca ⁺⁺ , músculo cardíaco, torsión rápida 1 (ATP2A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021047	Proteína de dedo de cinc 253 (ZNF253) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020152	Fase abierta de lectura 7 del cromosoma 21 (C21orf7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017447	Fase abierta de lectura 91 del cromosoma 21 (C21orf91) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016154	RAB4B, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB4B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016308	UMP-CMP cinasa (UMP-CMPK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016066	Glutarredoxina 2 (GLRX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016255	Familia con similitud de secuencia 8, miembro A1 (FAM8A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014781	Ortólogo probable de proteína formadora de superenrollamiento de ratón 1 (KIAA0203) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014468	Caja homeótica tipo VENT2 (VENTX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013383	Tipo factor de transcripción 4 (TCFL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012481	Proteína de dedo de cinc, subfamilia 1A, 3 (Aiolos) (ZNFN1A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012230	POM (homólogo de rata de POM121) y fusión de ZP3 (POMZP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012199	Factor de inicio de la traducción eucariota 2C, 1 (EIF2C1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005849	Superfamilia de inmunoglobulina, miembro 6 (IGSF6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005414	Tipo SKI (SKIL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004245	Transglutaminasa 5 (TGM5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020831	Leucemia megacarioblástica (translocación) 1 (MKL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015870	ORF1, ORF2 derivada de integrasa/región líder de H D1 de retrovirus endógeno, y proteína de la cápside putativa (HSU88895) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033330	Precursor de proteína de receptor eliminador rica en cisteína tipo 1 M160 (M160) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033326	Sox-6 (HSS0X6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017829	Región del cromosoma de síndrome de ojos de gato, candidato 5 (CECR5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033256	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora (inhibidora) 14A (PPP1R14A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033213	Proteína MGC12466 hipotética (MGC12466) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033070	Región del cromosoma de síndrome de ojos de gato, candidato 5 (CECR5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032752	Proteína MGC15548 hipotética (MGC15548) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032686	Proteína MGC13008 hipotética (MGC13008) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032371	Proteína MGC15416 hipotética (MGC15416) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032366	Proteína MGC13114 hipotética (MGC13114) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032353	Proteína MGC10540 hipotética (MGC10540) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032304	Proteína MGC2605 hipotética (MGC2605) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032259	Proteína DKFZp434F054 hipotética (DKFZp434F054) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032240	Proteína FLJ23519 hipotética (FLJ23519) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032153	Proteína miembro 4 de la familia del cinc HZIC4 (ZIC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015064	Proteína ELKS (ELKS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031294	Proteína DKFZp586M1120 hipotética (DKFZP586M1120) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025213	Espectrina, beta, no eritrocítica 4 (SPTBN4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025267	Proteína MGC2744 hipotética (MGC2744) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025051	Proteína FLJ23022 hipotética (FLJ23022) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024974	Proteína FLJ11800 hipotética (FLJ11800) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024934	Proteína FLJ22659 hipotética (FLJ22659) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024805	Proteína FLJ21172 hipotética (FLJ21172) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024804	Proteína FLJ12606 hipotética (FLJ12606) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024052	Proteína MGC3048 hipotética (MGC3048) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024042	Proteína MGC2601 hipotética (MGC2601) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020535	Receptor tipo inmunoglobulina de célula citolítica, dos dominios, cola citoplásmica larga, 5 (KIR2DL5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021939	Proteína FLJ22041 similar a proteínas de unión a FK506 (FLJ22041) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020664	2,4-Dienoil CoA reductasa 2, peroxisómica (DECR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018722	Proteína BWRT (HSA404617) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020394	Proteína de dedo de cinc SBZF3 (LOC57116) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019013	Proteína hipotética (FLJ10156) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018629	Proteína PRO2533 hipotética (PRO2533) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018568	Proteína PRO0943 hipotética (PRO0943) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018050	Proteína FLJ10298 hipotética (FLJ10298) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018019	Proteína FLJ10193 hipotética (FLJ10193) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017609	Proteína DKFZp434A1721 hipotética (DKFZp434A1721) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016332	Selenoproteína X, 1 (SEPX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016360	Clon HQ0477 PRO0477p (LOC51204) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016002	Proteína CGI-49 (LOC51097) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014913	Proteína KLAA0863 (KIAA0863) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014700	Producto génico de KIAA0665 (KIAA0665) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014680	Producto génico de KIAA0100 (KIAA0100) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012248	Selenofosfato sintetasa 2 (SPS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007222	Dedos de cinc y cajas homeóticas 1 (ZHX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006555	Proteína SNARE (YKT6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006623	Fosfoglicerato deshidrogenasa (PHGDH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006613	Proteína adaptadora relacionada con GRB2 (GRAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006659	Proteína de complejo de gamma-tubulina 2 (GCP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016441	Neurona motora rica en cisteína 1 (CRIM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014787	Homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia C, miembro 6 (DNAJC6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004213	Familia de transportadores de solutos 28 (transportador de nucleósidos acoplado a sodio), miembro 1 (SLC28A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003141	Antígeno de síndrome de Sjögren A1 (52 kD, autoantígeno de ribonucleoproteína SS-A/Ro) (SSA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002607	Polipéptido alfa de factor de crecimiento derivado de plaquetas (PDGFA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033023	Polipéptido alfa de factor de crecimiento derivado de plaquetas (PDGFA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005675	Gen de región crítica de síndrome de DiGeorge 6 (DGCR6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016083	Receptor de cannabinoides 1 (cerebro) (CNR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004053	Tipo bistina (BYSL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NG_000016	Grupo de protocadherina genómica alfa (PCDHA@) en el cromosoma 5
NM_032935	Metalotioneína IV (MTIV) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003695	Complejo de antígeno de linfocitos 6, locus D (E48) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006787	Antígeno de melanoma, familia D, 2 (MAGED2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016205	Factor de crecimiento derivado de plaquetas C (PDGFC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017913	Pariente de Cdc37 que se asocia con Hsp90 (HARC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017701	Proteína activadora de Rho GTPasa 8 (ARHGAP8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015366	Proteína activadora de Rho GTPasa 8 (ARHGAP8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_012269	Hialuronoglucosaminidasa 4 (HYAL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006207	Tipo receptor de factor de crecimiento derivado de plaquetas (PDGFRL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004986	Quinectina 1 (receptor de quinesina) (KTN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001840	Receptor de cannabinoides 1 (cerebro) (CNR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_014417	Componente de unión a Bcl-23 (BBC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033223	Receptor de ácido gamma-aminobutírico (GABA) A, gamma 3 (GABRG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005762	Que contiene motivo tripartito 28 (TRIM28) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015906	Que contiene motivo tripartito 33 (TRIM33) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito alfa, ARNm
NM_033020	Que contiene motivo tripartito 33 (TRIM33) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta, ARNm
NM_032421	Engarce citoplásmico 2 (CYLN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_031416	Marco de lectura abierto 2 del cromosoma 18 (C18orf2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014412	Proteína que interacciona con Siah (SEP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016212	Proteína TP53TG3 (TP53TG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016552	Proteína tipo anquirina específica de testículo 1 (LOC51281) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015369	Proteína TP53TG3 (TP53TG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033284	Proteína tipo transducina beta 1 (TBL1Y) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031951	Proteína NYD-SP11 (NYD-SP11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020414	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 24 (DDX24) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007268	Proteína de superfamilia Ig (Z39IG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006707	Tipo butirofilina 3 (BTNL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002491	Subcomplejo 1 beta de NADH deshidrogenasa (ubiquinona), 3 (12 kD, B12) (NDUFB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001386	Tipo dihidropirimidinasa 2 (DPYSL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000090	Colágeno, tipo III, alfa 1 (síndrome de Ehlers-Danlos tipo IV, dominante autosómico) (COL3A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033150	Colágeno, tipo II, alfa 1 (osteoartritis primaria, displasia espondiloepifisaria, congénita) (COL2A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001844	Colágeno, tipo H, alfa 1 (osteoartritis primaria, displasia espondiloepifisaria, congénita) (COL2A1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_025245	Factor de transcripción de leucemia de prelinfocitos B4 (PBX4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004342	Caldesmon 1 (CALD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033157	Caldesmon 1 (CALD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_033140	Caldesmon 1 (CALD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_033139	Caldesmon 1 (CALD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_033138	Caldesmon 1 (CALD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032635	Proteína de siete dominios transmembrana (NIFIE14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030912	Proteína de dedo anular 27 (RNF27) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019849	Familia de transportadores de solutos 7, (transportador de aminoácidos catiónicos, sistema y+) miembro 10 (SLC7A10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017844	Proteína tipo anquirina específica de testículo 1 (LOC51281) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014242	Proteína de dedo de cinc 237 (ZNF237) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001715	Tirosina cinasa linfocito B (BLK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033158	Hialuronoglucosaminidasa 2 (HYAL2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_033159	Hialuronoglucosaminidasa 1 (HYAL1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_007312	Hialuronoglucosaminidasa 1 (HYAL1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_006119	Factor de crecimiento de fibroblastos 8 (inducido por andrógenos) (FGF8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito B, ARNm
NM_033165	Factor de crecimiento de fibroblastos 8 (inducido por andrógenos) (FGF8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A, ARNm
NM_033164	Factor de crecimiento de fibroblastos 8 (inducido por andrógenos) (FGF8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito E, ARNm
NM_033163	Factor de crecimiento de fibroblastos 8 (inducido por andrógenos) (FGF8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito F, ARNm
NM_002009	Factor de crecimiento de fibroblastos 7 (factor de crecimiento de queratinocitos) (FGF7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021907	Distrobrevina, beta (DTNB) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033148	Distrobrevina, beta (DTNB) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033147	Distrobrevina, beta (DTNB) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_015902	Proteína inducida por progestina (DD5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000777	Citocromo P450, subfamilia IIIA (nifedipina oxidasa), polipéptido 5 (CYP3A5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000764	Citocromo P450, subfamilia IIA (inducible por fenobarbital), polipéptido 7 (CYP2A7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_030589	Citocromo P450, subfamilia IIA (inducible por fenobarbital), polipéptido 7 (CYP2A7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000762	Citocromo P450, subfamilia IIA (inducible por fenobarbital), polipéptido 6 (CYP2A6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018957	Proteína de unión a dominio SH31 (SH3BP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033258	Subunidad gamma 8 de proteína G (GNG8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033260	Factor de transcripción de forkhead/hélice de winged (HFH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018476	Expresada en cerebro, ligada a X 1 (BEX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022154	Regulada por incremento por BCG-CWS (LOC64116) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003773	Hialuronoglucosaminidasa 2 (HYAL2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032794	Proteína NG22 (NG22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030768	Serina/treonina fosfatasa asociada a cinasa ligada a integrina 2C (ILKAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025257	Proteína NG22 (NG22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020996	Factor de crecimiento de fibroblastos 6 (FGF6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016543	Lectina tipo Ig de unión a ácido siálico 7 (SIGLEC7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016134	Glutamato carboxipeptidasa de plasma (PGCP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014385	Lectina tipo Ig de unión a ácido siálico 7 (SIGLEC7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013287	Fosfoproteína enriquecida en astrocitos 15 (PEA15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006102	Glutamato carboxipeptidasa de plasma (PGCP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004112	Factor de crecimiento de fibroblastos 11 (FGF11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004465	Factor de crecimiento de fibroblastos 10 (FGF10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003811	Superfamilia de factor de necrosis tumoral (ligando), miembro 9 (TNFSF9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003063	Sarcolipina (SLN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003768	Fosfoproteína enriquecida en astrocitos 15 (PEA15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002010	Factor de crecimiento de fibroblastos 9 (factor activador de la glía) (FGF9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033215	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora (inhibidora) 3F (PPP1R3F) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032741	1-Acilglicerol-3-fosfato O-aciltransferasa 1 (ácido lisofosfatídicoaciltransferasa, alfa) (AGPAT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022152	Proteína PP1201 (PP1201) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033225	Dominios múltiples de CUB y Sushi 1 (CSMD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014505	Canal activado por calcio de conductancia de potasio grande, subfamilia M, miembro beta 4 (KCNMB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032559	Proteína quinesina (LOC84643) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015394	Proteína de dedo de cinc 10 (KOX 1) (ZNF10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003388	Engarce citoplásmico 2 (CYLN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032736	Familia de arsina 1, miembro B (torsina B) (TOR1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032689	Proteína MGC13071 hipotética (MGC13071) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032227	Proteína FLJ22679 hipotética (FLJ22679) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014506	Familia de torsina 1, miembro B (torsina B) (TOR1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030900	Proteína de progresión del ciclo celular 2 (CPR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030758	Proteína de unión a oxisterol 2 (OSBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017698	Proteína FLJ22679 hipotética (FLJ22679) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018225	Homólogo de smu-1 de <i>C. elegans</i> (SMU-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016285	Factor tipo Kruppel 12 (KLF12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007249	Factor tipo Kruppel 12 (KLF12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006464	Proteína de la red del trans-golgi 2 (TGOLN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006411	1-Aciliglicerol-3-fosfato O-aciltransferasa 1 (ácido lisofosfatídico aciltransferasa, alfa) (AGPAT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004749	Proteína de progresión del ciclo celular 2 (CPR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000285	Peptidasa D (PEPD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001467	Glucosa-6-fosfatasa, proteína de transporte (glucosa-6-fosfato) 1 (G6PT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033198	Fosfatidilinositolglucano, clase S (PIGS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002920	Factor regulador X, 4 (influye en la expresión de HLA de clase II) (RFX4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018944	Marco de lectura abierto 45 del cromosoma 21 (C21orf45) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033214	Pseudogen de glicerolcinasa 2 (GKP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033089	Proteína FLJ22115 hipotética (FLJ22115) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016015	Leucina carboximetiltransferasa (LCMT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033209	Cotranscrito con Thy-1 (LOC94105) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033093	Que contiene motivo tripartito 5 (TRIM5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito delta, ARNm
NM_033092	Que contiene motivo tripartito 5 (TRIM5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito gamma, ARNm
NM_033091	Que contiene motivo tripartito 4 (TRIM4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta, ARNm
NM_033017	Que contiene motivo tripartito 4 (TRIM4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito alfa, ARNm
NM_033034	Que contiene motivo tripartito 5 (TRIM5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito alfa, ARNm
NM_015318	Factor de intercambio de nucleótidos de guanina específico de Rho p114 (P114-RHO-GEF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007204	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 20, 103 kD (DDX20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032864	Proteína FLJ14936 hipotética (FLJ14936) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032639	Proteína adaptadora de fosfoinositol 4-fosfato 2 (FAPP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032583	Casete de unión a ATP, sub-familia C (CFTR/MRP), miembro 11 (ABCC11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032284	Proteína FLJ14936 hipotética (FLJ14936) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032182	Proteína FLJ13614 hipotética (FLJ13614) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021727	Ácido graso desaturasa 3 (FADS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022726	Tipo elongación de ácidos grasos de cadena muy larga (FEN1/Elo2, SUR4/Elo3, levadura) 4 (ELOVL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015162	Lipidosina (BG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021176	Proteína relacionada con subunidad catalítica de glucosa-6-fosfatasa específica de islotes (IGRP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019094	Motivo tipo nudix (resto ligado a nucleósido difosfato X) 4 (NUDT4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019091	Que contiene dominio de homología de pleckstrina, miembro de familia A (específica de unión a fosfoinositida) 3 (PLEKHA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018293	Proteína FLJ10997 hipotética (FLJ10997) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015994	ATPasa, transporte de H ⁺ lisosómica (bomba de protones vacuolar), miembro M (ATP6M) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015952	Proteína PTD013 (PTD013) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015899	Proteína de transferencia de glucolípidos putativa (LOC51054) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016309	Leucina carboximetiltransferasa (LCMT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013345	Receptor acoplado a proteína G (G2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012228	Factor de transcripción tipo pilina (PILB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006886	ATP sintasa, transporte de H ⁺ , complejo mitocondrial F1, subunidad épsilon (ATP5E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002200	Factor regulador de interferón 5 (IRF5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032643	Factor regulador de interferón 5 (IRF5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004464	Factor de crecimiento de fibroblastos 5 (FGF5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033143	Factor de crecimiento de fibroblastos 5 (FGF5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_020638	Factor de crecimiento de fibroblastos 23 (FGF23) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000800	Factor de crecimiento de fibroblastos 1 (ácido) (FGF1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033137	Factor de crecimiento de fibroblastos 1 (ácido) (FGF1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032102	Factor de corte y empalme, rico en arginina/serina, 46 kD (SRP46) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033136	Factor de crecimiento de fibroblastos 1 (ácido) (FGF1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002952	Proteína ribosómica S2 (RPS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033130	Lectina tipo Ig de unión a ácido siálico 10 (SIGLEC10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020665	Proteína de membrana específica de riñón (NX-17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033180	Receptor olfatorio, familia 51, subfamilia B, miembro 2 (OR51B2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033179	Receptor olfatorio, familia 51, subfamilia B, miembro 4 (OR51B4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033178	Doble caja homeótica, 4 (DUX4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033049	Mucina 13, epitelial que atraviesan la membrana (MUC13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021619	Que contiene dominio PR 12 (PRDM12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020382	Proteína que contiene dominio PR/SET 07 (SET07) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007365	Peptidilarginina deiminasa, tipo II (PDI2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015894	Tipo estatmina 3 (STMN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032491	Factor regulador X, 4 (influye en expresión de HLA clase II) (RFX4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024551	Proteína FLJ21432 hipotética (FLJ21432) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021830	Marco de lectura abierto 2 del cromosoma 10 (C10orf2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017972	Proteína FLJ20689 hipotética (FLJ20689) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020398	Tipo inhibidor de serina proteasa, con dominios Kunitz y WAP 1 (eppin) (SPINLW1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020637	Factor de crecimiento de fibroblastos 22 (FGF22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019113	Factor de crecimiento de fibroblastos 21 (FGF21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017926	Proteína FLJ20689 hipotética (FLJ20689) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016444	Proteína de dedo de cinc 226 (ZNF226) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015966	Antígeno de cáncer de mama definido serológicamente 84 (SDBCAG84) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015919	Proteína de dedo de cinc 226 (ZNF226) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015474	Dominio SAM y dominio HD, 1 (SAMHD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007096	Clatrina, polipéptido ligero (Lea) (CLTA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito específica de cerebro, ARNm
NM_002007	Factor de crecimiento de fibroblastos 4 (proteína transformante secretora de heparina 1, oncogén de sarcoma de Kaposi) CFGF4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001833	Clatrina, polipéptido ligero (Lea) (CLTA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito no de cerebro, ARNm
NM_022143	Proteína NAG14 (NAG 14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005292	Receptor acoplado a proteína G 18 (GPR18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001371	Dineína, axonémica, polipéptido pesado 8 (ADNH8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012276	Receptor tipo inmunoglobulina de leucocitos, subfamilia A (sin dominio TM), miembro 4 (ILT7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012092	Coestimulador de linfocitos T inducible (ICOS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032447	Fibrilina 3 (KIAA1776) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024017	Caja homeótica B9 (HOXB9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019558	Caja homeótica D8 (HOXD8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032379	Tipo sinaptotagmina 2 (SYTL2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_024690	Mucina 16 (MUC16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018558	Ácido gamma-aminobutírico (GABA) receptor, zeta (GABRQ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014452	Superfamilia del receptor de factor de necrosis tumoral, miembro 21 (TNFRSF21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006242	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora 3D (PPP1R3D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006545	Homólogo a nitrógeno permeasa de levadura (supresor de tumor candidato) (NPR2L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005398	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora (inhibidora) 3C (PPP1R3C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006645	Antígeno de cáncer de colon definido serológicamente 28 (SDCCAG28) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032800	Proteína FLJ14525 hipotética (FLJ14525) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004265	Ácido graso desaturasa 2 (FADS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013402	Ácido graso desaturasa 1 (FADS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031428	Proteína FLJ14525 hipotética (FLJ14525) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025243	Familia de transportadores de solutos 19, miembro 3 (SLC19A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024411	Prodinorfina (PDYN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007368	Activador de proteína RAS p21 (proteína activadora de GTPasa) 3 (proteína de unión a Ins(1,3,4,5)P4) (GAP1IP4BP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003912	Proteína relacionada con miotubularina 2 (MTMR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015984	Hidrolasa del extremo C ubiquitina UCH37 (UCH37) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016109	Tipo angiopoyetina 4 (ANGPTL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016156	Proteína relacionada con miotubularina 2 (MTMR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006667	Componente de membrana de receptor de progesterona 1 (PGRMC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006312	Co-represor de receptor nuclear 2 (NCOR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006320	Componente de membrana de receptor de progesterona 2 (PGRMC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000441	Familia de transportadores de solutos 26, miembro 4 (SLC26A4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032995	Factor de intercambio de nucleótidos de guanina Rho (GEF) 4 (ARHGEF4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_015320	Factor de intercambio de nucleótidos de guanina Rho (GEF) 4 (ARHGEF4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_014448	Factor de intercambio de guanina Rho (GEF) 16 (ARHGEF16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005435	Factor de intercambio de nucleótidos de guanina Rho (GEF) 5 (ARHGEF5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004723	Factor de intercambio de nucleótidos de guanina rho/rac (GEF) 2 (ARHGEF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004706	Factor de intercambio de nucleótidos de guanina Rho (GEF) 1 (ARHGEF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001031	Proteína ribosómica S28 (RPS28) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001030	Proteína ribosómica S27 (metaloanstimulina 1) (RPS27) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001029	Proteína ribosómica S26 (RPS26) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002913	Factor de replicación C (activador 1) 1 (145 kD) (RFC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005685	Que contiene dominio de repetición GTF2I 1 (GTF2IRD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005117	Factor de crecimiento de fibroblastos 19 (FGF19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001363	Disqueratosis congénita 1, disquerina (DKC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005765	ATPasa, transporte de H ⁺ , proteína asociada a sector de membrana lisosómica (bomba de protones vacuolar) (APT6M8-9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001848	Colágeno, tipo VI, alfa 1 (COL6A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004932	Cadherina 6, tipo 2, K-cadherina (riñón fetal) (CDH6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005673	Familia de transportadores de solutos 25 (transportador mitocondrial; autoantígeno de enfermedad de Graves), miembro 16 (SLC25A16) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_032943	Tipo sinaptotagmina 2 (SYTL2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_006932	Smoothelina (SMTN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000411	Holocarboxilasa sintetasa (biotin-[proprionil-Coenzima A-carboxilasa (hidrolizadora de ATP)]ligasa) (HLCs) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_030777	Familia de transportadores de solutos 2 (transportador de glucosa facilitado), miembro 10 (SLC2A10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022897	Proteína de unión a RAN 17 (RANBP17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015339	Neuroprotector dependiente de actividad (ADNP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015024	Proteína de unión a RAN 16 (RANBP16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022046	Calicreína 14 (KLK14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020041	Familia de transportadores de solutos 2 (transportador de glucosa facilitado), miembro 9 (SLC2A9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019851	Factor de crecimiento de fibroblastos 20 (FGF20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019555	Factor de intercambio de nucleótidos de guanina Rho (GEF) 3 (ARHGEF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016277	RAB23, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB23) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014629	Factor de intercambio de nucleótidos de guanina Rho (GEF) 10 (ARHGEF10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006989	Inactivador de Ras promovido por Ca ²⁺ (CAPRI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006568	Reguladora del crecimiento celular con dominio de dedo anular (CGR19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004841	Tipo activador de proteína RAS 2 (RASAL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004115	Factor de crecimiento de fibroblastos 14 (FGF14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003244	Factor inducido por TGFB (caja homeótica de familia TALE) (TGIF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007285	Tipo proteína asociada a receptor GABA(A)2 (GABARAPL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006047	Proteína de motivo de unión a ARN 12 (RBM12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032588	Proteína de dedo anular 28 (RNF28) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030766	Regulador de apoptosis BCL-G (BCLG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022788	Receptor purinérgico P2Y, acoplado a proteína G, 12 (P2RY12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015641	Transcrito derivado de testículo (3 dominios LIM) (TES) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018144	Forma alfa de Sec61 2 (FLJ10578) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032015	Proteína de dedo anular 26 (RNF26) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014713	Proteína asociada a lisosoma transmembrana 4 alfa (LAPTM4A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020415	Hallada en zona inflamatoria 3 (FIZZ3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020358	Proteína de dedo anular 18 (RNF18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005882	Unión de macrófagos y eritroblastos (MAEA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016523	Subfamilia del receptor tipo lectina de célula citolítica F, miembro 1 (KLRF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014141	Tipo proteína asociada a contactina 2 (CNTNAP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006862	Proteína que contiene dominio tudor y KH (TDRKH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006779	Proteína efectora Cdc42 2 (CEP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006292	Gen de susceptibilidad a tumor 101 (TSG101) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006449	Proteína efectora Cdc42 3 (CEP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002558	P2X de receptor purinérgico, canal de iones abierto por ligando 1 (P2RX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006712	Cinasa FAST (FASTK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033015	Cinasa FAST (FASTK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_025096	Cinasa FAST (FASTK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_003852	Factor intermediario transcripcional 1 (T1F1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003770	Queratina, pelo, ácida, 7 (KRTHA7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021013	Queratina, pelo, ácida, 4 (KRTHA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004068	Complejo proteico relacionado con adaptador 2, subunidad mu 1 (AP2M1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006803	Complejo proteico relacionado con adaptador 3, subunidad mu 2 (AP3M2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005498	Complejo proteico relacionado con adaptador 1, subunidad mu 2 (AP1M2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032981	Distrobrevina, alfa (DTNA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito zeta, ARNm
NM_032980	Distrobrevina, alfa (DTNA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito épsilon, ARNm
NM_032979	Distrobrevina, alfa (DTNA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito gamma, ARNm
NM_032978	Distrobrevina, alfa (DTNA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta, ARNm
NM_032975	Distrobrevina, alfa (DTNA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito alfa, ARNm
NM_001392	Distrobrevina, alfa (DTNA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito DTN3, ARNm
NM_001391	Distrobrevina, alfa (DTNA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito DTN2, ARNm
NM_001390	Distrobrevina, alfa (DTNA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito DTN1, ARNm
NM_001026	Proteína ribosómica S24 (RPS24) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_033022	Proteína ribosómica S24 (RPS24) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_024416	Osteoglucina (factor osteoinductivo, mimecan) (OGN) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_033014	Osteoglucina (factor osteoinductivo, mimecan) (OGN) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_014057	Osteoglucina (factor osteoinductivo, mimecan) (OGN) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_016152	Receptor de ácido retinoico beta (RARβ) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000965	Receptor de ácido retinoico, beta (RARβ) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032977	Caspasa 10, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito D, ARNm
NM_032976	Caspasa 10, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito C, ARNm
NM_032974	Caspasa 10, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito B, ARNm
NM_001230	Caspasa 10, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A, ARNm
NM_032992	Caspasa 6, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta, ARNm
NM_001226	Caspasa 6, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito alfa, ARNm
NM_033133	2',3'-Nucleótido cíclico 3' fosfodiesterasa (CNP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033125	Transportador de cationes orgánicos OKB1 (OKB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020349	Dominio de repetición de anquirina 2 (músculo sensible a estiramiento) (ANKRD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000540	Receptor de rianodina 1 (esquelético) (RYR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016930	Sintaxina 18 (STX18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014808	Producto génico de KIAA0793 (KIAA0793) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005428	Oncogén vav 1 (VAV1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005747	Elastasa 3A, pancreática (proteasa E) (ELA3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000922	Fosfodiesterasa 3B, inhibida por GMPc (PDE3B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033069	Proteína ADG-90 (ADG-90) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033085	Proteína de transcrito expresada en testículo adulto y fetal (FATE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015001	Proteína de represor asociada a SMART/HDAC1 (SHARP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032984	Caspasa 2, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (expresada en célula precursora neural, regulada por disminución por el desarrollo 2) (CASP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_032983	Caspasa 2, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (expresada en célula precursora neural, regulada por disminución por el desarrollo 2) (CASP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_032982	Caspasa 2, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (expresada en célula precursora neural, regulada por disminución por el desarrollo 2) (CASP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032957	Superfamilia del receptor de factor de necrosis tumoral, miembro 6b, señuelo (TNFRSF6B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_032945	Superfamilia del receptor de factor de necrosis tumoral, miembro 6b, señuelo (TNFRSF6B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito M68C, ARNm
NM_001224	Caspasa 2, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (expresada en célula precursora neural, regulada por incremento por el desarrollo 2) (CASP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_015647	Superfamilia del receptor de factor de necrosis tumoral, miembro 6b, señuelo (TNFRSF6B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033012	Superfamilia de factor de necrosis tumoral (ligando), miembro 11 (TNFSF11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003701	Superfamilia de factor de necrosis tumoral (ligando), miembro 11 (TNFSF11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_005409	Subfamilia de citocina inducible pequeña B (Cys-X-Cys), miembro 11 (SCYB11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005035	Polimerasa (ARN) mitocondrial (dirigida a ADN) (POLRMT) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_006980	Factor de terminación de la transcripción, mitocondrial (MTERF) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_001305	Claudina 4 (CLDN4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032996	Caspasa 9, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta, ARNm
NM_001229	Caspasa 9, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito alfa, ARNm
NM_004346	Caspasa 3, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito alfa, ARNm
NM_032991	Caspasa 3, cisteína proteasa relacionada con apoptosis (CASP3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta, ARNm
NM_033057	Receptor olfatorio, familia 2, subfamilia B, miembro 2 (OR2B2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033051	Co-transportador de estroma del timo (TSCOT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033048	Región de cromosoma CPX, candidato 1 (CPXCR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033007	Proteína de apoptosis Similar a Ced-4 formadora de filamento efector de muerte (DEFCAP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito E, ARNm
NM_033006	Proteína de apoptosis Similar a Ced-4 formadora de filamento efector de muerte (DEFCAP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito D, ARNm
NM_033005	Proteína de apoptosis Similar a Ced-4 formadora de filamento efector de muerte (DEFCAP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito C, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_033004	Proteína de apoptosis Similar a Ced-4 formadora de filamento efector de muerte (DEFCAP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A, ARNm
NM_014922	Proteína de apoptosis Similar a Ced-4 formadora de filamento efector de muerte (DEFCAP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito B, ARNm
NM_000088	Colágeno, tipo1, alfa 1 (COL1A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019105	Tenascina XB (TNXB) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito XB, ARNm
NM_033036	Beta-galactosa-3-O-sulfotransferasa 3 (GAL3ST2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033029	Tipo leishmanolisina (familia de metalopeptidasa M8) (LMLN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_033028	Síndrome de Bardet-Biedl 4 (BBS4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021807	Proteína secretora SEC8 (SEC8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020137	Proteína asociada a GRIP1 (GRASP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015133	Proteína 3 que interacciona con proteína cinasa activada por mitógeno 8 (MAPK8IP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014006	Cinasa relacionada con PI-3-cinasa SMG-1 (SMG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021914	Cofilina 2 (músculo) (CFL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032520	Proteína CAB56184 hipotética (CAB56184) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032923	Proteína MGC16025 hipotética (MGC16025) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032917	Proteína MGC2848 hipotética (MGC2848) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032868	Proteína FLJ14981 hipotética (FLJ14981) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032862	Proteína FLJ14926 hipotética (FLJ14926) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032801	Proteína FLJ14529 hipotética (FLJ14529) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032753	Proteína MGC15631 hipotética (MGC15631) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032737	Proteína MGC2721 hipotética (MGC2721) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032668	Proteína MGC4771 hipotética (MGC4771) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032503	Receptor acoplado a proteína G slit (SLT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032377	Proteína MGC4549 hipotética (MGC4549) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032326	Proteína MGC4618 hipotética (MGC4618) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032306	Proteína MGC10974 hipotética (MGC10974) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032281	Proteína DKFZp547J036 hipotética (DKFZp547J036) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015650	Proteína que interacciona con microtúbulo que se asocia a TRAF3 (MIP-T3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031487	Proteína MGC4604 hipotética (MGC4604) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_031470	Molécula de adhesión de punto unión 3 (JAM3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031304	Proteína MGC4293 hipotética (MGC4293) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031213	Proteína MGC:5244, hipotética (MGC:5244) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031208	Proteína DKFZp566J2046 hipotética (DKFZP566J2046) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030924	Proteína PRTD-NY3 hipotética (PRTD-NY3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030824	Proteína FLJ14356 hipotética (FLJ14356) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030631	Familia de transportadores de solutos 25 (transportador de óxidocarboxilato mitocondrial), miembro 21 (SLC25A21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024571	Proteína FLJ22940 hipotética (FLJ22940) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025015	Producto génico de KIAA0417 (KIAA0417) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024103	Proteína MGC2615 hipotética (MGC2615) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030578	Proteína MGC4093 hipotética (MGC4093) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014015	Proteína MYLE (MYLE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025094	Proteína FLJ22184 hipotética (FLJ22184) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025078	Proteína FLJ22378 hipotética (FLJ22378) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025061	Proteína FLJ23420 hipotética (FLJ23420) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024967	Proteína FLJ11637 hipotética (FLJ11637) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024898	Proteína FLJ22757 hipotética (FLJ22757) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024877	Proteína FLJ13265 hipotética (FLJ13265) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024726	Proteína FLJ22527 hipotética (FLJ22527) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024719	Proteína FLJ22474 hipotética (FLJ22474) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024600	Proteína FLJ20898 hipotética (FLJ20898) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024508	Proteína MGC10796 hipotética (MGC10796) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024341	Proteína MGC4054 hipotética (MGC4054) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024064	Proteína MGC5363 hipotética (MGC5363) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024029	Proteína MGC3262 hipotética (MGC3262) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023078	Proteína FLJ13852 hipotética (FLJ13852) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023076	Proteína FLJ23360 hipotética (FLJ23360) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022842	Proteína FLJ22969 hipotética (FLJ22969) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022737	Proteína FLJ13055 hipotética (FLJ13055) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022459	Proteína FLJ13046 similar a exportina 4; KIAA1721 pr (FLJ13046) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_022437	Casete de unión a ATP, sub-familia G (WHITE), miembro 8 (esterolina 2) (ABCG8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022135	Proteína popeye 2 (P0P2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022066	Ortólogo probable de enzima conjugadora de ubiquitina de ratón E2-230K (E2-230K) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015480	Nectina 3 hipotética (DKFZP566B0846) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004240	Interactor del receptor de hormona tiroidea 10 (TRIP 10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003589	Culina 4A (CUL4A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021731	Proteína PP3501 hipotética (PP3501) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020129	Proteína similar a proteína placentaria 13 (LOC56891) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020196	Proteína HCNP; proteína de unión a XPA2 (HCNP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020224	Proteína DKFZp5470146 hipotética (DKFZp5470146) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019064	Proteína hipotética (FLJ10832) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019012	Proteína de unión a fosfoinositol 3-fosfato 2 (PEPP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018635	Proteína PRO2900 hipotética (PRO2900) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018687	Gen asociado a carcinoma hepatocelular TD26 (LOC55908) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018441	Trans 2-enoil CoA reductasa peroxisómica; alcohol deshidrogenasa de cadena corta putativa (HSA250303) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018645	Proteína HES6 hipotética (HES6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017967	Proteína FLJ20850 hipotética (FLJ20850) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017914	Proteína FLJ20640 hipotética (FLJ20640) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017905	Proteína FLJ20623 hipotética (FLJ20623) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017722	Proteína FLJ20244 hipotética (FLJ20244) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017668	Proteína que interacciona con LIS 1 NUDE 1, homólogo de rata (NUDE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017616	Proteína FLJ20004 hipotética (FLJ20004) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018185	Proteína FLJ10704 hipotética (FLJ10704) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018074	Proteína FLJ10374 hipotética (FLJ10374) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018057	Homólogo transportador de huérfano de rata v7-3 (NTT73) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018049	Proteína FLJ10297 hipotética (FLJ10297) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018028	Proteína FLU10211 hipotética (FLJ10211) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018000	Proteína FLJ10116 hipotética (FLJ10116) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016510	Seleno cisteína liasa putativa (SCLY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016434	Superfamilia del receptor de factor de necrosis tumoral, miembro 6b, señuelo (TNFRSF6B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_016289	Proteína MO25 (LOC51719) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016264	GIOT-2 para represor de transcripción inducible por gonadotropina 2 (GIOT-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016149	Inhibidor proteico de proteína activada por STAT PIASy (PIASY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015897	Inhibidor proteico de proteína activada por STAT PIASy (PIASY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016581	ECSIT (LOC51295) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016479	Proteína hipotética (LOC51246) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016474	Proteína hipotética (LOC51244) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016094	Proteína HSPC042 (LOC51122) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015942	Proteína CGI-12 (LOC51001) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016475	Proteína hipotética (HSPC213) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016457	Proteína cinasa D2 (PKD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016111	Producto génico de KIAA0683 (KIAA0683) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014049	Proteína NPD002 (NPD002) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014963	Proteína KIAA0963 (KIAA0963) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015571	Proteasa específica de SUMO-1 (SUSP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014789	Producto génico de KIAA0628 (KIAA0628) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014714	Producto génico de KIAA0590 (KIAA0590) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014758	Producto génico de KIAA0254 (KIAA0254) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014065	Proteína HT001 (HT001) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014170	Proteína HSPC135 (HSPC135) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015462	Proteína DKFZP586L0724 hipotética (DKFZP586L0724) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015642	Proteína de dedo de cinc 288 (ZNF288) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015493	Proteína DKFZP434N161 hipotética (DKFZP434N161) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014446	Proteína de unión a integrina beta 1 específica de músculo (MIBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013314	Linfocitos Bengarce (BLNK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007086	Proteína AND-1 (AND-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006701	Similar a dim1+ de <i>S. pombe</i> (DIM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006300	Proteína de dedo de cinc 230 (ZNF230) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006477	Relacionada con RAS en el cromosoma 22 (RRP22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006087	Tubulina, beta, 5 (TUBB5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006056	Receptor acoplado a proteína G 66 (GPR66) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005815	Dedo de cinc tipo Kruppel (C2H2) (ZK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005817	Proteína de selección de carga (proteína de unión a receptor de manosa 6 fosfato) (TIP47) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005801	Factor de inicio de la traducción putativa (SUI1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005837	POP7 (procesamiento de precursor, <i>S. cerevisiae</i>) homólogo (RPP20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005776	Tipo cornichon (CNIL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004970	Proteína de unión a factor de crecimiento tipo insulina, subunidad lábil por ácido (IGFALS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004945	Dinamina 2 (DNM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004283	RAB3D, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB3D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004548	Subcomplejo 1 beta de NADH deshidrogenasa (ubiquinona), 10 (22 kD, PDSW) (NDUFB10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004124	Factor de maduración de la glía, beta (GMFB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004877	Factor de maduración de la glía, gamma (GMFG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004907	Proteína inmediata temprana (ETR101) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004044	5-Aminoimidazol-4-carboxamida ribonucleótido formiltransferasa/IMP ciclohidrolasa (ATIC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004315	N-acilesfingosina amidohidrolasa (ceramidasa ácida) (ASAH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004846	Tipo factor de inicio de la traducción eucariota 4E3 (EIF4EL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003765	Sintaxina 10 (STX10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003110	Factor de transcripción de Sp2 (SP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003113	Antígeno nuclear Sp100 (SP100) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000543	Esfingomielina fosfodiesterasa 1, lisosómica ácida (esfingomielinasa ácida) (SMPD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003072	Relacionada con SWI/SNF, asociada a matriz, regulador de cromatina dependiente de actina, subfamilia a, miembro 4 (SMARCA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002807	Subunidad 26S de proteasoma (prosome, macropaina), no ATPasa, 1 (PSMD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002704	Proteína básica pro-plaquetaria (incluye proteína básica plaquetaria, beta-tromboglobulina, péptido activador de tejido conjuntivo III, péptido activador de neutrófilos-2) (PPBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000089	Colágeno, tipo I, alfa 2 (COLIA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001687	ATP sintasa, transporte de H ⁺ , complejo mitocondrial F1, subunidad delta (ATP5D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020168	Cinasa activada por p21 (CDKN1A) 6 (PAK6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032657	Proteína MGC10442 hipotética (MGC10442) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032571	Receptor tipo mucina que contiene módulo de tipo EGF EMR3 (EMR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032413	Específica de mucosa normal de esófago 1 (NMES1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015093	Proteína de unión a TAK1 2 (TAB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031947	Transportador de ornitina 2 (ORNT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005563	Estatmina 1/oncoproteína 18 (STMN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024662	Proteína FLJ10774 hipotética (FLJ10774) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024637	Beta-galactosa-3-O-sulfotransferasa, 4 (GAL3ST-4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024617	Proteína FLU13409 hipotética (FLJ13409) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020796	Dominio sema, dominio transmembrana (TM) y dominio citoplásmico, (semaforina) 6A (SEMA6A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013283	Metionina adenosiltransferasa II, beta (MAT2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012231	Que contiene dominio PR 2, con dominio ZNF (PRDM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020428	Gen CTL2 (CTL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015866	Que contiene dominio PR 2, con dominio ZNF (PRDM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014771	Proteína de unión a proteína de retinoblastoma de 95 kDa; gen KIAA0661 pro (KIAA0661) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014454	Proteína nuclear PA26 regulada por p53 (PA26) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013447	Secuencia de tipo receptor hormonal 2, de tipo mucina, que contiene módulo de tipo egf (EMR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006499	Lectina, que se une a galactósido, soluble, 8 (galectina 8) (LGALS8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006031	Pericentrina 2 (kendrina) (PCNT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022040	Región del cromosoma de síndrome de Williams-Beuren 5 (WBSCR5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032464	Región del cromosoma de síndrome de Williams-Beuren 5 (WBSCR5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_032463	Región del cromosoma de síndrome de Williams-Beuren 5 (WBSCR5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_014146	Región del cromosoma de síndrome de Williams-Beuren 5 (WBSCR5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_031992	Región del cromosoma de síndrome de Williams-Beuren 1 (WBSCR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_006234	Polipéptido J de polimerasa (ARN) II (dirigido a ADN) (13,3 kD) (POLR2J) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_032959	Polipéptido J de polimerasa (ARN) II (dirigido a ADN) (13,3 kD) (POLR2J) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_032958	Polipéptido J de polimerasa (ARN) II (dirigido a ADN) (13,3 kD) (POLR2J) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito c, ARNm
NM_002694	Polipéptido C de polimerasa (ARN) II (dirigido a ADN) (33 kD) (POLR2C) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito alfa, ARNm
NM_032940	Polipéptido C de polimerasa (ARN) II (dirigido a ADN) (33 kD) (POLR2C) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito gamma, ARNm
NM_033011	Activador de plasminógeno, tejido (PLAT) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_000931	Activador de plasminógeno, tejido (PLAT) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000930	Activador de plasminógeno, tejido (PLAT) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_033013	Subfamilia de receptor nuclear 1, grupo I, miembro 2 (NR1I2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_003889	Subfamilia de receptor nuclear 1, grupo I, miembro 2 (NR1I2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_022002	Subfamilia de receptor nuclear 1, grupo I, miembro 2 (NR1I2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_022170	Región del cromosoma de síndrome de Williams-Beuren 1 (WBSCR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032408	Bromodominio adyacente a dominio de dedo de cinc, 1B (BAZ1B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_023005	Bromodominio adyacente a dominio de dedo de cinc, 1B (BAZ1B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001024	Proteína ribosómica S21 (RPS21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012138	Factor de transcripción antagonista de apoptosis (DED) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016343	Proteína de centrómero F (350/400 kD, mitosina) (CENPF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032988	Tipo transducina (beta 2 (TBL2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032052	Proteína de dedo de cinc 278 (ZNF278) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_032051	Proteína de dedo de cinc 278 (ZNF278) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_032050	Proteína de dedo de cinc 278 (ZNF278) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_014323	Proteína de dedo de cinc 278 (ZNF278) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_033003	Factor de transcripción general II, i (GTF2I) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_001518	Factor de transcripción general II, i (GTF2I) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_033001	Factor de transcripción general II, i (GTF2I) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_033000	Factor de transcripción general II, i (GTF2I) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032999	Factor de transcripción general II, i (GTF2I) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_002904	Proteína de unión a ARN RD (RDBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002755	Proteína cinasa cinasa activada por mitógeno 1 (MAP2K1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012453	Tipo transducina (beta) 2 (TBL2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_006347	Peptidilprolilisomerasa H (ciclofilina H) (PPIH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001631	Fosfatasa alcalina, intestinal (ALPI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021151	Carnitina O-octanoiltransferasa (CROT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005090	Fosfolipasa A2, grupo IVB (citósica) (PLA2G4B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000124	Deficiencia reparadora de roedor con complementación cruzada reparadora de escisión, grupo de complementación 6 (ERCC6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020157	Otoraplina (OAR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018313	Polibromo 1 (PB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018165	Polibromo 1 (PB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016503	Proteína ribosómica mitocondrial L30 (MRPL30) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012139	Intercambio del nucleótido de guanina putativa asociado a locus de sordera f (DELGEF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007061	Proteína constituyente del suero (MSE55) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005379	Miosina IA (MYO1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000500	Citocromo P450, subfamilia XXIA (esteroide 21-hidroxilasa, hiperplasia congénita adrenal), polipéptido 2 (CYP21A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000063	Componente del complemento 2 (C2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014078	Proteína ribosómica mitocondrial L13 (MRPL13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021134	Proteína ribosómica mitocondrial L23 (MRPL23) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020249	Tipo disintegrina a y metaloproteasa (tipo reprotisina) con motivo de trombospondina tipo 1, 9 (ADAMTS9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018094	Transición de fase G1 a S 2 (GSPT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014180	Proteína ribosómica mitocondrial L22 (MRPL22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014175	Proteína ribosómica mitocondrial L15 (MRPL15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_015385	Proteína de dominio SH3 5 (ponsina) (SH3D5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006434	Proteína de dominio SH3 5 (ponsina) (SH3D5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000135	Anemia de Fanconi, grupo de complementación A (FANCA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005656	Proteasa transmembrana, serina 2 (TMPRSS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021974	Polimerasa (ARN) II (dirigida a ADN) polipéptido F (POLR2F) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004167	Subfamilia de citocina inducible pequeña A (Cys-Cys), miembro 15 (SCYA15) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032965	Subfamilia de citocina inducible pequeña A (Cys-Cys), miembro 15 (SCYA15) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_032964	Subfamilia de citocina inducible pequeña A (Cys-Cys), miembro 15 (SCYA15) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032454	Serina/treonina cinasa 19 (STK19) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_007057	Interactor de ZW10 (ZWINT) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032997	Interactor de ZW10 (ZWINT) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003262	Proteína de translocación 1 (TLOC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032470	Tenascina XB (TNXB) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito XB-S, ARNm
NM_004166	Subfamilia de citocina inducible pequeña A (Cys-Cys), miembro 14 (SCYA14) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032963	Subfamilia de citocina inducible pequeña A (Cys-Cys), miembro 14 (SCYA14) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_032962	Subfamilia de citocina inducible pequeña A (Cys-Cys), miembro 14 (SCYA14) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_021219	Molécula de adhesión de punto de unión 2 (JAM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014456	Muerte celular programada 4 (inhibidor de transformación neoplásica) (PDCD4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004197	Serina/treonina cinasa 19 (STK19) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_007214	SEC63, componente de translocón de retículo endoplásmico (<i>S. cerevisiae</i> (SEC63L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006808	Complejo de translocación proteico beta (SEC61B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001028	Proteína ribosómica S25 (RPS25) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001022	Proteína ribosómica S19 (RPS19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001021	Proteína ribosómica S17 (RPS17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001020	Proteína ribosómica S16 (RPS16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001018	Proteína ribosómica S15 (RPS15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001017	Proteína ribosómica S13 (RPS13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012423	Proteína ribosómica L13a (RPL13A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002907	Tipo proteína RecQ (tipo ADN helicasa Q1) (RECQL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032941	Tipo proteína RecQ (tipo ADN helicasa Q1) (RECQL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_021128	Polipéptido de polimerasa (ARN) II (dirigido a ADN) L (7,6 kD) (POLR2L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006233	Polipéptido de polimerasa (ARN) II (dirigido a ADN) I (14,5 kD) (POLR2I) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006232	Polipéptido de polimerasa (ARN) II (dirigido a ADN) H (POLR2H) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002695	Polipéptido de polimerasa (ARN) II (dirigido a ADN) E (25 kD) (POLR2E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004805	Polipéptido de polimerasa (ARN) II (dirigido a ADN) D (POLR2D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000937	Polipéptido de polimerasa (ARN) II (dirigido a ADN) A (220 kD) (POLR2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001987	Gen variante de ets 6 (oncogén TEL) (ETV6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032973	Protocadherina 22 (PCDH22) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito c, ARNm
NM_032972	Protocadherina 22 (PCDH22) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_032971	Protocadherina 22 (PCDH22) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_020403	Protocadherina 9 (PCDH9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022843	Protocadherina 20 (PCDH20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032949	Protocadherina 8 (PCDH8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032457	Protocadherina BH (cerebro-corazón) (PCDH7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito c, ARNm
NM_032456	Protocadherina BH (cerebro-corazón) (PCDH7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_002589	Protocadherina BH (cerebro-corazón) (PCDH7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_016580	Protocadherina 12 (PCDH12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032420	Protocadherina 1 (tipo cadherina 1) (PCDH1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032969	Protocadherina 11 (PCDH1 1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito d, ARNm
NM_032968	Protocadherina 11 (PCDH11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito c, ARNm
NM_032967	Protocadherina 11 (PCDH11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b. ARNm
NM_032950	Metaloproteínasa de matriz 28 (MMP28) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_024302	Metaloproteínasa de matriz 28 (MMP28) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_006575	Proteína cinasa cinasa cinasa cinasa activada por mitógeno 5 (MAP4K5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004635	Proteína cinasa activada por proteína cinasa activada por mitógeno 3 (MAPKAPK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002587	Protocadherina 1 (tipo cadherina 1) (PCDH1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004759	Proteína cinasa activada por proteína cinasa activada por mitógeno 2 (MAPKAPK2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032960	Proteína cinasa -activada por Proteína cinasa activada por mitógeno 2 (MAPKAPBC2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032515	Tipo proteína pro-apoptótica de ovario relacionada con Bcl-2 (BOKL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015166	Proteína KIAA0027 (MLC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001795	Cadherina 5, tipo 2, cadherina VE (epitelio vascular) (CDH5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001794	Cadherina 4, tipo 1, cadherina R (retinal) (CDH4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001793	Cadherina 3, tipo 1, cadherina P (placentaria) (CDH3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001792	Cadherina 2, tipo 1, cadherina N (neuronal) (CDH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004360	Cadherina 1, tipo 1, cadherina E (epitelial) (CDH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006137	Antígeno CD7 (P41) (CD7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005864	Proteína de transducción de señal (que contiene SH3) (EFS2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032459	Proteína de transducción de señal (que contiene SH3) (EFS2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032107	Proteína de tumor cerebral maligno letal (3) l(3)mbt (<i>Drosophila</i>) ho (H-L(3)MBT) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito II, ARNm
NM_015478	Proteína de tumor cerebral maligno letal (3) l(3)mbt (<i>Drosophila</i>) ho (H-L(3)MBT) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito I, ARNm
NM_004318	Aspartato beta-hidroxilasa (ASPH) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032468	Aspartato beta-hidroxilasa (ASPH) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032467	Aspartato beta-hidroxilasa (ASPH) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_032466	Aspartato beta-hidroxilasa (ASPH) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_020164	Aspartato beta-hidroxilasa (ASPH) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_014217	Canal de potasio, subfamilia K, miembro 2 (TREK-1) (KCNK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031498	Proteína de unión al nucleótido de guanina (proteína G), polipéptido de actividad de transducción gamma 2 (GNGT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031311	Carboxipeptidasa, tipo vitelogénica (CPVL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022768	Proteína de motivo de unión a ARN 15 (RBM 15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021797	Citocina quimiotáctica de eosinófilos (TSA1902) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014330	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora (inhibidora) 15A (PPP1R15A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014522	Protocadherina 11 (PCDH11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_003004	Secretada y transmembrana 1 (SECTM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002696	Polipéptido de polimerasa (ARN) II (dirigido a ADN) G (POLR2G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000938	Polipéptido de polimerasa (ARN) II (dirigido a ADN) B (140 kD) (POLR2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001372	Dineína, axonémica, polipéptido pesado 9 (ADNH9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004215	Antígeno asociado a sitio de unión a receptor de estrógenos, 9 (EBAG9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005111	Cristalina, tipo zeta (quinona reductasa) 1 (CRYZL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004381	Tipo proteína de unión a elemento sensible a AMPc 1 (CREBL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000592	Componente del complemento 4B (C4B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007293	Componente del complemento 4A (C4A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032603	Tipo lisiloxidasa 3 (LOXL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023937	Proteína ribosómica mitocondrial L34 (MRPL34) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022567	Nictalopina (NYX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022467	Hidrato de carbono (N-acetilgalactosamina 4-0) sulfotransferasa 8 (CHST8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016557	Receptor de siete transmembranas huérfano, relacionado con quimiocina (VSHK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016116	Que contiene repetición de anquirina y caja SOCS 4 (ASB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016114	Que contiene repetición de anquirina y caja SOCS 1 (ASB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016115	Que contiene repetición de anquirina y caja SOCS 3 (ASB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014398	Proteína de membrana asociada a lisosoma 3 (LAMP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014434	Oxidoreductasa que contiene FMN y FAD dependiente de NADPH (NR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004860	Retraso mental frágil X, homólogo autosómico 2 (FXR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006850	Interleucina 24 (IL24) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006541	Tipo tioredoxina 2 (TXNL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004662	Dineína, axonémica, polipéptido pesado 9 (DNAH9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000029	Angiotensinógeno (inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado A (alfa-1 antiproteinasa, antitripsina), miembro 8) (AGT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004050	Tipo BCL22 (BCL2L2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004049	Proteína relacionada con BCL2A1 (BCL2A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001623	Factor inflamatorio de alotrasplante 1 (AIF1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_032955	Factor inflamatorio de alotrasplante 1 (AIF1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NG_000010	Citocromo genómico P450, subfamilia IIA (inducible por fenobarbital) (CYP2A.2@) en el cromosoma 19
NM_004847	Factor inflamatorio de alotrasplante 1 (AIF1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005452	Marco de lectura abierto 11 del cromosoma 6 (C6orf11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031282	Translocación de receptor de superfamilia de inmunoglobulina asociada 1 (IRTA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031281	Translocación de receptor de superfamilia de inmunoglobulina asociada 2 (IRTA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000767	Citocromo P450, subfamilia IIB (inducible por fenobarbital), polipéptido 6 (CYP2B6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020165	Proteína de reparación postreplicación hRAD18p (RAD 18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001710	Factor B, properdina (BF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021800	Proteína que contiene dominio J 1 (JDP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020404	Precursor de marcador endotelial tumoral 1 (TEM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006672	Familia de transportadores de solutos 22 (transportador de aniones orgánicos), miembro 7 (SLC22A7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006398	Diubiquitina (UBD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005445	Proteoglucano de condroitín sulfato 6 (bamacan) (CSPG6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017495	Seb4D (HSARNSEB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001632	Alcalina fosfatasa, placentaria (isozima de Regan) (ALPP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030773	Beta tubulina 1, clase VI (TUBB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020643	Marco de lectura abierto 16 del cromosoma 11 (C11orf16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020644	Marco de lectura abierto 15 del cromosoma 11 (C11orf15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020642	Marco de lectura abierto 17 del cromosoma 11 (C11orf17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020201	5'-Nucleotidasa, mitocondrial (NT5M) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003203	Marco de lectura abierto 3 del cromosoma 2 (C2orf3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007175	Marco de lectura abierto 2 del cromosoma 8 (C8orf2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007023	Factor de intercambio de nucleótidos de guanina regulado por AMPc II (CAMP-GEFII) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006589	Marco de lectura abierto 2 del cromosoma 1 (C1orf2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006105	Factor de intercambio de nucleótidos de guanina Rap1 activado directamente por cA (EPAC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005637	Translocación de sarcoma sinovial, cromosoma 18 (SS18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001213	Marco de lectura abierto 1 del cromosoma 1 (C1orf1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002354	Transductor de señal de calcio asociado a tumor 1 (TACSTD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003492	Marco de lectura abierto 12 del cromosoma X (CXorf12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003797	Desarrollo de ectodermo embrionario (EED) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032863	Proteína FLJ14927 hipotética (FLJ14927) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032813	Proteína FLJ14624 hipotética (FLJ14624) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032578	Miopadina hipotética (FLJ14437) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032385	Marco de lectura abierto 4 del cromosoma 5 (C5orf4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032239	Proteína FLJ23511 hipotética (FLJ23511) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032012	Marco de lectura abierto 5 del cromosoma 9 (C9orf5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031922	Proteína RALBP1 (LOC83859) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031890	Región del cromosoma de síndrome de ojo de gato, candidato 6 (CECR6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031456	Marco de lectura abierto 1A del cromosoma 17 (C17orf1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030944	Marco de lectura abierto 5 del cromosoma 15 (C15orf5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030806	Marco de lectura abierto 21 del cromosoma 1 (C1orf21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030790	Proteína hipotética CDA08 (CDA08) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018312	Marco de lectura abierto 23 del cromosoma 11 (C11orf23) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024298	Potenciador de progresión tumoral/gen potenciado por expresión de células malignas (LENG4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022458	Marco de lectura abierto 2 del cromosoma 7 (C7orf2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022338	Marco de lectura abierto 24 del cromosoma 11 (C11orf24) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022163	Marco de lectura abierto 4 del cromosoma 15 (C15orf4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022107	Marco de lectura abierto 9 del cromosoma 6 (C6orf9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006781	Marco de lectura abierto 10 del cromosoma 6 (C6orf10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019895	Marco de lectura abierto 4 del cromosoma 3 (C3orf4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012265	Marco de lectura abierto 3 del cromosoma 22 (C22orf3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021254	Marco de lectura abierto 59 del cromosoma 21 (C21orf59) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020645	Marco de lectura abierto 14 del cromosoma 11 (C11orf14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_012112	Marco de lectura abierto 1 del cromosoma 20 (C20orf1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018555	Proteína de dedo de cinc 331; proteína de dedo de cinc 463 (ZNF361) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019106	Septina 3 (SEPT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020375	Marco de lectura abierto 5 del cromosoma 12 (C12orf5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020374	Marco de lectura abierto 4 del cromosoma 12 (C12orf4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020373	Marco de lectura abierto 3 del cromosoma 12 (C12orf3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020367	Marco de lectura abierto 6 del cromosoma 12 (C12orf6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020130	Marco de lectura abierto 4 del cromosoma 8 (C8orf4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019596	Marco de lectura abierto 62 del cromosoma 21 (C21orf62) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019063	Marco de lectura abierto 2 del cromosoma 2 (C2orf2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018956	Marco de lectura abierto 9 del cromosoma 9 (C9orf9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017586	Marco de lectura abierto 7 del cromosoma 9 (C9orf7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018691	Marco de lectura abierto 3 del cromosoma 5 (C5orf3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006134	Marco de lectura abierto 4 del cromosoma 21 (C21orf4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016940	Marco de lectura abierto 6 del cromosoma 21 (C21orf6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017438	Marco de lectura abierto 18 del cromosoma 21 (C21orf18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013265	Fase abierta de lectura 2 del cromosoma 11 (C11orf2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016190	Marco de lectura abierto 10 del cromosoma 1 (C1orf10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015927	Transcrito 1 inducido por factor de crecimiento transformante beta 1 (TGFB11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016564	Antígeno de BM88 (BM88) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016348	Marco de lectura abierto 4 del cromosoma 5 (C5orf4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014009	Desregulación inmune, poliendocrinopatía, enteropatía, ligada a X (IPEX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015524	Marco de lectura abierto 5 del cromosoma 6 (C6orf5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006345	Marco de lectura abierto 1 del cromosoma 4 (C4orf1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015373	Marco de lectura abierto 2 del cromosoma 22 (C22orf2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014205	Marco de lectura abierto 11 del cromosoma 5 (C11orf5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012264	Marco de lectura abierto 5 del cromosoma 22 (C22orf5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012111	Marco de lectura abierto 3 del cromosoma 14 (C14orf3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007211	Marco de lectura abierto 2 del cromosoma 12 (C12orf2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007176	Marco de lectura abierto 1 del cromosoma 14 (C14orf1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006706	Factor asociado a proteína de unión a caja TATA (TBP), ARN polimerasa II, S, 150 kD (TAF2S) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006382	Marco de lectura abierto 1A del cromosoma 17 (C17orf1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005967	Proteína de unión a NGFI-A 2 (proteína de unión a EGR1 2) (NAB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005966	Proteína de unión a NGFI-A 1 (proteína de unión a EGR1 1) (NAB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005663	Candidato de síndrome de Wolf-Hirschhorn 2 (WHSC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005491	Marco de lectura abierto 6 del cromosoma X (CXorf6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005128	Marco de lectura abierto 5 del cromosoma 21 (C21orf5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004928	Marco de lectura abierto 2 del cromosoma 21 (C21orf2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004894	Marco de lectura abierto 2 del cromosoma 14 (C14orf2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004872	Marco de lectura abierto 8 del cromosoma 1 (C1orf8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004709	Marco de lectura abierto 1 del cromosoma X (CXorf1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004337	Marco de lectura abierto 1 del cromosoma 8 (C8orf1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004913	Marco de lectura abierto 7 del cromosoma 16 (C16orf7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000956	Receptor de prostaglandina E 2 (subtipo EP2), 53 kD (PTGER2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001586	Marco de lectura abierto 2 del cromosoma X (CXorf2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001585	Marco de lectura abierto 1 del cromosoma 22 (C22orf1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001214	Marco de lectura abierto 3 del cromosoma 16 (C16orf3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001584	Marco de lectura abierto 8 del cromosoma 11 (C11orf8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003475	Marco de lectura abierto 13 del cromosoma 11 (C11orf13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032496	Proteína activadora de GTPasa rho ARHGAP9 (ARHGAP9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007234	Dinactina 3 (P22) (DCTN3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_024348	Dinactina 3 (P22) (DCTN3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_021246	Proteína de transcrito génico potenciada por megacariocitos 1 (MEGT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013291	Factor específico de escisión y poliadenilación 1, subunidad de 160 kD (CPSF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014500	Factor específico de TAT de VIH 1 (HTATSF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005567	Lectina, unión a galactósido, soluble, proteína de unión 3 (LGALS3BP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005711	Dominios tipo discoidina I y repeticiones tipo EGF3 (EDIL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016593	Oxiesterol 7 alfa-hidroxilasa (CYP39A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021048	Antígeno de melanoma, familia A, 10 (MAGEA10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_021049	Antígeno de melanoma, familia A, 5 (MAGEA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019602	Tipo butirofilina 2 (asociada a MHC de clase II) (BTNL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018002	Resistencia a oxidación 1 (OXR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013392	Proteína de unión a receptor nuclear (NRBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012396	Dominio tipo homología de pleckstrina, familia A, miembro 3 (PHLDA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006492	Caja homeótica tipo aristaless 3 (ALX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005365	Antígeno de melanoma, familia A, 9 (MAGEA9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005364	Antígeno de melanoma, familia A, 8 (MAGEA8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005366	Antígeno de melanoma, familia A, 11 (MAGEA11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024490	ATPasa, clase V, tipo 10C (ATP10C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020354	Proteína tipo apirasa lisosómica 1 (LALP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018655	Proteína epitelial del cristalino (LENEP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016448	Proteína asociada a matriz nuclear regulada por RA (RAMP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014763	Proteína ribosómica mitocondrial L19 (MRPL19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006099	Inhibidor proteico de STAT3 activada (PIAS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004221	Transcrito de célula citolítica natural 4 (NK4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002949	Proteína ribosómica mitocondrial L12 (MRPL12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016239	Miosina XVA (MYO15A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005094	Familia de transportadores de solutos 27 (transportador de ácido graso), miembro 4 (SLC27A4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015077	Proteína de motivo de alfa-estéril y HEAT/Armadillo, ortólogo de <i>Drosophila</i> (SARM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013239	Subunidad reguladora de 48 kDa de proteína fosfatasa 2A (PR48) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022363	Proteína de caja homeótica de LIM 5 (LHX5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031966	Ciclina B1 (CCNB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015559	Proteína de unión s SET 1 (SETBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007178	Proteína que interacciona con unr (UNRIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005367	Antígeno de melanoma, familia A, 12 (MAGEA12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031275	Secuencia expresada en testículo 12 (TEX12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032403	Subfamilia de protocadherina gamma C, 3 C(PCDHGC3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032402	Subfamilia de protocadherina gamma C, 3 (PCDHGC3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002588	Subfamilia de protocadherina gamma C, 3 (PCDHGC3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_014583	Dominio rico en cisteína y LIM 1 (LMCD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001389	Molécula de adhesión celular de síndrome de Down (DSCAM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031894	Ferritina, tipo polipéptido pesado 17 (FTHL17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032098	Subfamilia de protocadherina gamma B, 4 (PCDHGB4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003736	Subfamilia de protocadherina gamma B, 4 (PCDHGB4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032938	Supresor de ruta de proteína G 2 (GPS2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_004489	Supresor de ruta de proteína G 2 (GPS2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032442	Supresor de ruta de proteína G 2 (GPS2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001887	Cristalina, beta B1 (CRYBB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005208	Cristalina, beta A1 (CRYBA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001889	Cristalina, zeta (quinona reductasa) (CRYZ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022132	Metilcrotonoil-Coenzima A carboxilasa 2 (beta) (MCCC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001288	Canal intracelular de cloruro 1 (CLIC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021624	Receptor de histamina H4 (HRH4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032527	Proteína FLJ14972 (KIAA1847) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005560	Laminina, alfa 5 (LAMA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032931	Proteína MGC13219 hipotética (MGC13219) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_032924	Proteína MGC16040 hipotética (MGC16040) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032920	Proteína MGC15873 hipotética (MGC15873) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032913	Proteína MGC14458 hipotética (MGC14458) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032893	Proteína MGC14336 hipotética (MGC14336) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032889	Proteína MGC11308 hipotética (MGC11308) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032815	Proteína FLJ14639 hipotética (FLJ14639) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032798	Proteína FLJ14503 hipotética (FLJ14503) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032793	Proteína FLJ14490 hipotética (FLJ14490) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032791	Proteína FLJ14477 hipotética (FLJ14477) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032789	Proteína FLJ14464 hipotética (FLJ14464) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032769	Proteína MGC16212 hipotética (MGC16212) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032760	Proteína MGC14966 hipotética (MGC14966) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032696	Proteína MGC12262 hipotética (MGC12262) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032665	Proteína MGC4640 hipotética (MGC4640) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032662	Proteína MGC10600 hipotética (MGC10600) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032655	Proteína MGC10997 hipotética (MGC10997) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032625	Proteína cerebral hipotética my040 (MY040) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032621	Proteína ligada a X (DJ79P11.1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032525	Tubulina beta-5 (TUBBS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005485	ADP-ribosiltransferasa tipo (NAD ⁺ ; poli(ADP-ribosa) polimerasa) 3 (ADPRTL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005484	ADP-ribosiltransferasa tipo (NAD ⁺ ; poli(ADP-ribosa) polimerasa) 2 (ADPRTL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005447	Interactor del extremo COOH de monooxigenasa de amida peptidilglicina alfa (PAMCI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000137	Fumarilacetoacetato hidrolasa (fumarilacetoacetasa) (FAH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001888	Cristalina, mu (CRYM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032608	Proteína hipotética bk125H2.1 (BK125H2.1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032607	Factor de transcripción de la familia CREB/ATF (CREB-H) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032602	Conexina 62 (CX62) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032598	NYD-SP20 relacionada con desarrollo de testículo (NYD-SP20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032592	1-Aminociclopropano-1-carboxilato sintasa (PHACS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032581	Regulada por disminución por Ctnnb1, a (DRCTNNB1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032579	Precursor proteico rico en cisteína específico de intestino delgado y colon similar a proteína tipo FIZZ2/resistina (HXCP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032570	Proteína relacionada con NPC NAG73 (NAG73) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032565	Proteína relacionada con unión de emopamilo, proteína relacionada con delta8-delta7 esteroisomerasa (EBRP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032561	Proteína EVG1 (EVG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032555	Proteína P143 (P143) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032549	Tipo peptidasa de membrana mitocondrial interna 2 (IMMP2L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032548	Proteína BPOZ (BPOZ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015080	Neurexina 2 (NRXN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005676	Proteína de motivo de unión a ARN 10 (RBM10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032526	Nucleotidasa citosólica I (CN-I) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032483	Proteína HTPAP (HTPAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032094	Subfamilia de protocadherina gamma A, 12 (PCDHGA12) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003735	Subfamilia de protocadherina gamma A, 12 (PCDHGA12) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031887	Tipo hormona concentradora de promelanina 1 (PMCHL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032461	Familia de SPANX, miembro B1 (SPANXB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006986	Antígeno de melanoma, familia D, 1 (MAGED1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005462	Antígeno de melanoma, familia C, 1 (MAGEC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002375	Proteína asociada a microtúbulo 4 (MAP4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_030983	Proteína asociada a microtúbulo 4 (MAP4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_030885	Proteína asociada a microtúbulo 4 (MAP4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_030884	Proteína asociada a microtúbulo 4 (MAP4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002374	Proteína asociada a microtúbulo 2 (MAP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031847	Proteína asociada a microtúbulo 2 (MAP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_031846	Proteína asociada a microtúbulo 2 (MAP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_031845	Proteína asociada a microtúbulo 2 (MAP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032446	Proteína MEGF10 (MEGF10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032417	Familia SPANX, miembro D (SPANXD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013453	Proteína de espermatozoide asociada al núcleo, cromosoma X, miembro de la familia A1 (SPANXA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020690	Proteína KIAA1085 (KIAA1085) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012121	Proteína efectora de Cdc42 4; agente de unión de GTPasas Rho 4 (CEP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001019	Proteína ribosómica S15a (RPS15A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022551	Proteína ribosómica S18 (RPS18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005909	Proteína asociada a microtúbulo 1B (MAP1B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032010	Proteína asociada a microtúbulo 1B (MAP1B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002373	Proteína asociada a microtúbulo 1A (MAP1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_031366	Colágeno, tipo IV, alfa 3 (antígeno de Goodpasture) (COL4A3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 6, ARNm
NM_031365	Colágeno, tipo IV, alfa 3 (antígeno de Goodpasture) (COL4A3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_031364	Colágeno, tipo IV, alfa 3 (antígeno de Goodpasture) (COL4A3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_031363	Colágeno, tipo IV, alfa 3 (antígeno de Goodpasture) (COL4A3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_031362	Colágeno, tipo IV, alfa 3 (antígeno de Goodpasture) (COL4A3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000091	Colágeno, tipo IV, alfa 3 (antígeno de Goodpasture) (COL4A3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_002140	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea K (HNRPK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_031263	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea K (HNRPK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_031262	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea K (HNRPK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032414	Precursor de proquetina 1 (PROK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003214	Miembro 3 de la familia del dominio TEA (TEAD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015613	Proteína DKFZP434K091 (PAL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030643	Apolipoproteína L, 4 (APOL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022064	Proteína FLJ12565 hipotética (FLJ12565) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017971	Proteína ribosómica mitocondrial L20 (MRPL20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016504	Proteína ribosómica mitocondrial L27 (MRPL27) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014050	Proteína ribosómica mitocondrial L42 (MRPL42) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000014	Alfa-2-macroglobulina (A2M) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004891	Proteína ribosómica mitocondrial L33 (MRPL33) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004864	Factor de diferenciación de próstata (PLAB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000454	Superóxido dismutasa 1, soluble (esclerosis lateral amiotrófica 1 (adulto)) (SOD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032391	Proteína nuclear pequeña PRAC (PRAC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032382	Proteína FLJ22315 hipotética (FLJ22315) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032365	Proteína MGC5254 hipotética (MGC5254) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032363	Proteína HEIL2 (HEIL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_032335	Proteína MGC14797 hipotética (MGC14797) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032276	Proteína DKFZp547E052 hipotética (DKFZp547E052) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032272	Proteína DKFZp586G1123 hipotética (DKFZp586G1123) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032260	Proteína DKFZp434P144 hipotética (DKFZp434P144) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032237	Proteína FLJ23356 hipotética (FLJ23356) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032220	Proteína FLJ22283 hipotética (FLJ22283) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032219	Proteína FLJ22269 hipotética (FLJ22269) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032204	Proteína FLJ21588 hipotética (FLJ21588) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032203	Proteína FLJ21423 hipotética (FLJ21423) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032202	Proteína FLJ21404 hipotética (FLJ21404) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032173	Proteína FLJ12747 hipotética (FLJ12747) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032157	Proteína FLJ11531 hipotética (FLJ11531) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032150	Proteína DKFZp434F1735 hipotética (DKFZp434F1735) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021005	Subfamilia de receptor nuclear 2, grupo F, miembro 2 (NR2F2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020159	Proteína DKFZp762K2015 hipotética (DKFZp762K2015) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015449	Proteína DKFZp586G1722 hipotética (DKFZp586G1722) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015424	Proteína DKFZp586N2124 hipotética (DKFZp586N2124) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015235	Ortólogo probable de proteína de poliadenilación variante de ratón CSTF-64; KIAA0689 (KIAA0689) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015068	Expresada de forma paterna 10 (PEG10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014599	Que contiene dominio EH 4 (EHD4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014411	Proteína de susceptibilidad a carcinoma cerebral y nasofaríngeo (NSG-X) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007148	Proteína de dedo de cinc 179 (ZNF179) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007266	Proteína de unión a XPA 1; proteína de unión ATP(GTP) putativa (NTPBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006313	Proteasa específica de ubiquitina 15 (USP15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005726	Factor de elongación de traducción de Ts, mitocondrial (TSFM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005277	Glucoproteína M6A (GPM6A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005437	Coactivador del receptor nuclear 4 (NCOA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001439	Tipo exostosas (múltiple) 2 (EXTL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001287	Canal de cloruro 7 (CLCN7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_021194	Familia de transportadores de solutos 30 (transportador de cinc), miembro 1 (SLC30A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013986	Región de punto de rotura de sarcoma de Ewing 1 (EWSR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito EWS-b, ARNm
NM_001013	Proteína ribosómica S9 (RPS9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005617	Proteína ribosómica S14 (RPS14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006361	Caja homeótica B13 (HOXB13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000990	Proteína ribosómica L27a (RPL27A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005821	NBR2 (NBR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003483	Isoforma I-C de proteína de grupo de alta movilidad (cromosómica no de histona) (HMGIC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002129	Proteína 2 de grupo de alta movilidad (cromosómica no de histona) (HMG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005959	Receptor de melatonina 1B (MTNR1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005958	Receptor de melatonina 1A (MTNR1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004739	Tipo asociado a metástasis 1 1 (MTA1L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021644	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea H3 (2H9) (HNRPH3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2H9A, ARNm
NM_012207	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea H3 (2H9) (HNRPH3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2H9, ARNm
NM_019597	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea H2 (H') (HNRPH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031203	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea M (HNRPM) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005968	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea M (HNHPM) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004966	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea F (HNRPF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032093	Interferón asociado a embarazo (HTIFN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020236	Proteína ribosómica mitocondrial L1 (MRPL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016050	Proteína ribosómica mitocondrial L11 (MRPL11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005520	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea H1 (H) (HNRPH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002226	Jagged 2 (JAG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006805	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea A0 (HNRPA0) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005463	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea tipo D (HNRPDL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_031372	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea tipo D (HNRPDL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_031313	Fosfatasa alcalina, tipo placentario 2 (ALPPL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005080	Proteína de unión a caja X 1 (XBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031267	Tipo ciclo de división celular 2 5 (controlador de división celular relacionada con colinesterasa) (CDC2L5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003718	Tipo ciclo de división celular 2 5 (controlador de división celular relacionada con colinesterasa) (CDC2L5) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000106	Citocromo P450, subfamilia IID (metabolizadora de debrisoquina, esparteína, etc.), polipéptido 6 (CYP2D6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031862	Componente de membrana, cromosoma 17, marcador de superficie 2 (antígeno de carcinoma de ovario CA125) (M17S2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_031858	Componente de membrana, cromosoma 17, marcador de superficie 2 (antígeno de carcinoma de ovario CA125) (M17S2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005899	Componente de membrana, cromosoma 17, marcador de superficie 2 (antígeno de carcinoma de ovario CA125) (M17S2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_032018	Proteína DKFZp547N043 hipotética (DKFZP547N043) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014469	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea específica de testículo G-T (HNRNPG-T) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002137	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea A2/B1 (HNRPA2B1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A2, ARNm
NM_031243	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea A2/B1 (HNRPA2B1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito B1, ARNm
NM_031157	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea A1 (HNRPA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_009585	Receptor de angiotensina 1 (AGTR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_032049	Receptor de angiotensina 1 (AGTR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_031850	Receptor de angiotensina 1 (AGTR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_004835	Receptor de angiotensina 1 (AGTR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_000685	Receptor de angiotensina 1 (AGTR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_003965	Tipo receptor de quimiocina (motivo C-C) 2 (CCRL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006641	Receptor de quimiocina (motivo C-C) 9 (CCR9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito B, ARNm
NM_031200	Receptor de quimiocina (motivo C-C) 9 (CCR9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A, ARNm
NM_031409	Receptor de quimiocina (motivo C-C) 6 (CCR6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004367	Receptor de quimiocina (motivo C-C) 6 (CCR6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_031371	Proteína tipo RBP1 (BCAA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_016374	Proteína tipo RBP1 (BCAA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004281	Atanógeno 3 asociado a BCL2 (BAG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032048	Precursor de glucoproteína extracelular EMILIN-2 (EMILIN-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032046	Serina proteína mosaico (MSP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032045	Proteína transmembrana que contiene kringle; gen codificante de kringle que marca el ojo y la nariz (KREMEN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032044	Gen regenerador tipo IV (REG-IV) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032041	Neurocalcina delta (NCALD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032039	Proteína DKFZp761D0211 hipotética (DKFZP761D0211) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032038	Proteína tipo spinster (LOC83985) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032020	Proteína MGC1314 similar a fucosidasa, alfa-L-1, tejido hipotética (MGC1314) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_032016	Proteína MGC3251 hipotética (MGC3251) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000323	Pto-oncogén ret (neoplasia endocrina múltiple y carcinoma de tiroides medular 1, enfermedad de Hirschsprung) (RET) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_020975	Pto-oncogén ret (neoplasia endocrina múltiple y carcinoma de tiroides medular 1, enfermedad de Hirschsprung) (RET) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_020630	Pto-oncogén ret (neoplasia endocrina múltiple y carcinoma de tiroides medular 1, enfermedad de Hirschsprung) (RET) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_020629	Pto-oncogén ret (neoplasia endocrina múltiple y carcinoma de tiroides medular 1, enfermedad de Hirschsprung) (RET) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_016817	2'-5'-Oligoadenilato sintetasa 2 (69-71 kD) (OAS2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_006187	2'-5'-Oligoadenilato sintetasa 3 (100 kD) (OAS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002535	2'-5'-Oligoadenilato sintetasa 2 (69-71 kD) (OAS2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002342	Receptor de linfotóxina beta (superfamilia de TNFR, miembro 3) (LTBR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002136	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea A1 (HNRPA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001885	Cristalina, alfa B (CRYAB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015139	Transportador dual de UDP-ácido glucurónico/UDP-N-acetilgalactosamina (UGTREL7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024333	Proteína que contiene dominio SPRY y fibronectina tipo 3 (FSD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017947	Sulfurasa de cofactor de molibdeno (HMCS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_017934	Proteína que interacciona con el dominio de homología de pleckstrina (PHIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016492	Homólogo de MOG1 de levadura (MOG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014185	Homólogo de MOG1 de levadura (MOG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031965	Haspina (GSG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031952	Proteína NYD-SP16 (NYD-SP16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031950	Proteína Ksp37 (KSP37) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031949	Proteína NYD-TSPG (NYD-TSPG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031945	Oculospanina (OCSP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031943	IFP38 (IFP38) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031942	Diana de c-Myc JPO1 (JPO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031941	Proteína de unión a AIE-75 (MCC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031938	B,b-Caroteno-9'-10'-dioxigenasa putativa (B-DIOX-II) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031937	Interactor con EBP50-PDZ de 64 kD (EPI64) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031921	AAA-ATPasa TOB3 (TOB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031915	Proteína CLLL8 (CLLD8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031911	Proteína relacionada con factor de necrosis tumoral de complemento-c1q 7 (CTRP7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031910	Proteína relacionada con factor de necrosis tumoral de complemento-c1q 6 (CTRP6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031909	Proteína relacionada con factor de necrosis tumoral de complemento-c1q 4 (CTRP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031904	Proteína FKSG44 hipotética (FKSG44) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031903	Proteína ribosómica mitocondrial L32 (MRPL32) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031900	Alanina-glioxilato aminotransferasa 2 (AGXT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031897	Canal de calcio, dependiente de tensión, subunidad gamma 6 (CACNG6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031896	Canal de calcio, dependiente de tensión, subunidad gamma 7 (CACNG7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031939	Proteína B29 (B29) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031886	Canal de potasio abierto por tensión, subfamilia relacionada con shaker, miembro 7 (KCNA7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020992	Dominio PDZ y LIM 1 (elfina) (PDLIM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031407	Proteína de unión a elemento regulador corriente arriba 1 (UREB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_030582	Colágeno, tipo XVIII, alfa 1 (COL18A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020390	Factor de inicio de la traducción eucariota 5A2 (EIF5A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018980	Receptor del gusto, tipo 2, miembro 5 (TAS2R5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018417	Adenilil ciclasa soluble (SAC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016945	Receptor del gusto, tipo 2, miembro 16 (TAS2R16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004775	UDP-Gal:betaGlcNAc beta 1,4- galactosiltransferasa, polipéptido 6 (B4GALT6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003778	UDP-Gal:betaGlcNAc beta 1,4- galactosiltransferasa, polipéptido 4 (B4GALT4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003779	UDP-Gal:betaGlcNAc beta 1,4- galactosiltransferasa, polipéptido 3 (B4GALT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001296	Proteína de unión a quimiocina 2 (CCBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001497	UDP-Gal:betaGlcNAc beta 1,4- galactosiltransferasa, polipéptido 1 (B4GALT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014451	Proteína de osteosarcoma sensible a PTH B1 (B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031265	Tipo mucina y cadherina (MUCDHL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_031264	Tipo mucina y cadherina (MUCDHL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_017717	Tipo mucina y cadherina (MUCDHL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_021924	Tipo mucina y cadherina (MUCDHL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_019855	Proteína de unión a calcio 5 (CABP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016367	Proteína de unión a calcio 3 (CABP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031204	Proteína de unión a calcio 2 (CABP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005201	Receptor de quimiocina (motivo C-C) 8 (CCR8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000786	Citocromo P450, 51 (lanosterol 14-alfa-demetilasa) (CYP51) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030908	Receptor olfatorio, familia 2, subfamilia A, miembro 4 (OR2A4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001009	Proteína ribosómica S5 (RPS5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001032	Proteína ribosómica S29 (RPS29) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001014	Proteína ribosómica S10 (RPS10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000991	Proteína ribosómica L28 (RPL28) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000782	Citocromo P450, subfamilia XXIV (vitamina D 24-hidroxilasa) (CYP24), proteína mitocondrial codificada por gen nuclear, ARNm
NM_031226	Citocromo P450, subfamilia XIX (aromatización de andrógenos) (CYP19) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000103	Citocromo P450, subfamilia XIX (aromatización de andrógenos) (CYP19) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000498	Citocromo P450, subfamilia XIB (esteroide 11-beta-hidroxilasa), polipéptido 2 (CYP11B2), proteína mitocondrial codificada por gen nuclear, ARNm
NM_000102	Citocromo P450, subfamilia XVII (esteroide 17-alfa-hidroxilasa), hiperplasia adrenal (CYP17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000497	Citocromo P450, subfamilia XIB (esteroide 11-beta-hidroxilasa), polipéptido 1 (CYP11B1), proteína mitocondrial codificada por gen nuclear, ARNm
NM_017460	Citocromo P450, subfamilia IIIA (nifedipina oxidasa), polipéptido 4 (CYP3A4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018482	Factor potenciador de desarrollo y diferenciación 1 (DDEF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016366	Proteína de unión a calcio 2 (CABP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_007255	Xilosilproteína beta 1,4-galactosiltransferasa, polipéptido 7 (galactosiltransferasa I) (B4GALT7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006668	Citocromo P450, subfamilia 46 (colesterol 24-hidroxilasa) (CYP46) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000781	Citocromo P450, subfamilia XIA (escisión de cadena lateral de colesterol) (CYP11A) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_000579	Receptor de quimiocina (motivo C-C) 5 (CCR5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001295	Receptor de quimiocina (motivo C-C) 1 (CCR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031492	Proteína hipotética similar a proteína de unión a ARN lark hipotética (MGC10871) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031488	Proteína DKFZp761I141 hipotética (DKFZP761I141) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031469	Tipo proteína rica en ácido glutámico de unión a domino SH3 2 (SH3BGRL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031468	Calneurona 1 (CALN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031462	Proteína DKFZp761H2024 hipotética (DKFZP761H2024) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031458	Gen de linfoma agresivo B (BAL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031445	Proteína MGC4268 hipotética (MGC4268) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031440	Proteína transmembrana 7 (TMEM7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031429	Retbindina (RTBDN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031427	Proteína MGC12435 hipotética (MGC12435) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031426	Proteína FLJ12783 hipotética (FLJ12783) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031422	GalNAc-4-sulfotransferasa 2 (GALNAC4ST-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031415	Factor nuclear extra de cremallera de leucina derivada de melanoma (MLZE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_031413	Región cromosómica de síndrome de ojo de gato, candidato 2 (CECR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022719	Gen de región crítica de síndrome de DiGeorge DGS1; ortólogo probable de secuencia expresada en ratón 2 letal embrionaria (DGS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000669	Alcohol deshidrogenasa 1C (clase 1), polipéptido gamma (ADH1C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000667	Alcohol deshidrogenasa 1A (clase 1), polipéptido alfa (ADH1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018833	Transportador 2, casete de unión a ATP, subfamilia B (MDR/TAP) (TAP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000544	Transportador 2, casete de unión a ATP, subfamilia B (MDR/TAP) (TAP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000593	Transportador 1, casete de unión a ATP, subfamilia B (MDR/TAP) (TAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004678	Carga variable, cromosoma Y, 2 (VCY2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012392	Proteína PEF con un dominio hidrófobo N-terminal largo (peflina) (PEF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031308	Epiplaquina 1 (EPPK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031299	Proteína MGC2577 hipotética (MGC2577) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012480	Proteína de dedo de cinc 73 (Cos12) (ZNF73) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030881	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 17 (72 kD) (DDX17) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_006386	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 17 (72 kD) (DDX17) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_003587	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 16 (DDX16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000478	Fosfatasa alcalina, hígado/hueso/riñón (ALPL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004820	Citocromo P450, subfamilia VIIB (oxiesterol 7 alfa-hidroxilasa), polipéptido 1 (CYP7B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000780	Citocromo P450, subfamilia VIIA (colesterol 7 alfa-monooxigenasa), polipéptido 1 (CYP7A1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_016166	Proteína de unión a caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 1 (DDXBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016373	Óxido reductasa que contiene dominio WW (WWOX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024164	Triptasa beta 2 (TPSB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003294	Triptasa beta 1 (TPSB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031310	Proteína de estructura ligada a endotelio penetrada; proteína PV-1 (PV1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031302	Glucosiltransferasa (LOC83468) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031300	Proteína MGC2383 hipotética (MGC2383) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031297	Proteína DKFZp761H1710 hipotética (DKFZP761H1710) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_031287	Proteína MGC3133 hipotética (MGC3133) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031286	Proteína tipo SH3BGRL3 (SH3BGRL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031285	Proteína PP1057 hipotética (PP1057) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031279	Tipo alanina-glioxilato aminotransferasa 2 1 (AGXT2L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030970	Proteína MGC3771 hipotética (MGC3771) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014357	Proteína específica de piel (XP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030590	Matrilina 4 (MATN4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_031246	Beta-1-glucoproteína específica de embarazo 2 (PSG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017422	Proteína cutánea tipo calmodulina (CLSP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005956	Metilentetrahidrofolato deshidrogenasa (dependiente de NADP+), meteniltetrahidrofolato ciclohidrolasa, formiltetrahidrofolato sintetasa (MTHFD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005906	Cinasa asociada a células germinales macho (MAK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006389	Proteína regulada por oxígeno (150 kD) (ORP150) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004803	Tipo transportador catiónico orgánico 4 (ORCTL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030984	Tromboxano A sintasa 1 (plaqueta, citocromo P450, subfamilia V) (TBXAS1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito TXS-II, ARNm
NM_001061	Tromboxano A sintasa 1 (plaqueta, citocromo P450, subfamilia V) (TBXAS1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito TXS-I, ARNm
NM_000773	Citocromo P450, subfamilia IIE (inducible por etanol) (CYP2E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030592	Matrilina 4 (MATN4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_003833	Matrilina 4 (MATN4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_005355	Tipo quinesina 3 (KNSL3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_030615	Tipo quinesina 3 (KNSL3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004523	Tipo quinesina 1 (KNSL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005000	Subcomplejo 1 alfa de NADH deshidrogenasa (ubiquinona), 5 (13 kD, B13) (NDUFA5) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_004541	Subcomplejo 1 alfa de NADH deshidrogenasa (ubiquinona), 1 (7,5 kD, MWFE) (NDUFA1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_000771	Citocromo P450, subfamilia IIC (mefenitoína 4-hidroxilasa), polipéptido 9 (CYP2C9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000772	Citocromo P450, subfamilia IIC (mefenitoína 4-hidroxilasa), polipéptido 18 (CYP2C18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017778	Tipo candidato 1 de síndrome de Wolf-Hirschhorn 1 (WHSC1L1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito corta, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_023034	Tipo candidato 1 de síndrome de Wolf-Hirschhorn1 (WHSC1L1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito larga, ARNm
NM_000766	Citocromo P450, subfamilia IIA (inducible por fenobarbital), polipéptido 13 (CYP2A13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006646	Familia de proteína WAS, miembro 3 (WASF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018560	Óxido reductasa que contiene dominio WW (WWOX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014110	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora (inhibidora) subunidad 8 (PPP1R8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004109	Ferredoxina 1 (FDX1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_030671	Proteína tirosina fosfatasa, tipo receptor, O (PTPRO) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_030670	Proteína tirosina fosfatasa, tipo receptor, O (PTFRO) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 6, ARNm
NM_030669	Proteína tirosina fosfatasa, tipo receptor, O (PTPRO) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_030668	Proteína tirosina fosfatasa, tipo receptor, O (PTPRO) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_030667	Proteína tirosina fosfatasa, tipo receptor, O (PTPRO) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_002848	Proteína tirosina fosfatasa, tipo receptor, O (PTPRO) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_021979	Proteína 2 de choque térmico de 70 kD (HSPA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024005	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 3 (DDX3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001356	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 3 (DDX3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_020216	Arginil aminopeptidasa (aminopeptidasa B) (RNPEP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006990	Familia de proteína WAS, miembro 2 (WASF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012467	Triptasa gamma 1 (TPSG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007317	Tipo quinesina 4 (KNSL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004256	Tipo transportador catiónico orgánico 3 (ORCTL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000774	Citocromo P450, subfamilia IIF, polipéptido 1 (CYP2F1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000769	Citocromo P450, subfamilia IIC (mefenitoína 4-hidroxilasa), polipéptido 19 (CYP2C19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031220	Receptor 1 que interacciona con dominio N-terminal de PYK2 (NIR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_031212	Proteína hipotética NPD016 (NPD016) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031211	Proteína LAT1-3TM (LAT1-3TM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031209	ARNt-guanina transglucosilasa (TGT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_031206	Proteína FLJ12525 hipotética (FLJ12525) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006904	Proteína cinasa, activada por ADN, polipéptido catalítico (PR KDC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030963	Proteína DKFZp43401427 hipotética (DKFZP43401427) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030931	Proteína secretora de lepidídimo ESP13.2 (ESP13.2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030905	Receptor olfatorio, familia 2, subfamilia J, miembro 2 (OR2J2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030903	Receptor olfatorio, familia 2, subfamilia W, miembro 1 (OR2W1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012377	Receptor olfatorio, familia 7, subfamilia C, miembro 2 (OR7C2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030981	Proteína de unión a GTP pequeña (RAB1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030974	Proteína DKFZp434N1923 hipotética (DKFZP434N1923) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030973	Proteína TCBAP0758 (TCBAP0758) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030968	Proteína que interacciona con el receptor acoplado a proteína G, relacionada con factor de necrosis tumoral de complemento-c1q (ZSIG37) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030945	Proteína relacionada con factor de necrosis tumoral de complemento-c1q; ortólogo probable de CORS26 de ratón (secuencia que contiene repetición de colágeno de proteína de 26 kDa) (CTRP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030936	Proteína DKFZp434C135 hipotética (DKFZP434C135) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030935	Tipo TSC-22 (THG-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030926	Proteína integral de membrana 3 (ITM3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030893	Antígeno CD1E, polipéptido e (CD1E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014067	Proteína LRP16 (LRP16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030661	Caja homeótica A3 (HOXA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030879	ARN conservado evolutivamente pequeño, que se asemeja a caja C/D pequeña nucleolar (X102) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012373	Receptor olfatorio, familia 3, subfamilia A, miembro 3 (OR3A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015072	Proteína KIAA0998 (KIAA0998) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030882	Apolipoproteína L, 2 (APOL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002623	Prefoldina 4 (PFDN4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022167	Xilosiltransferasa II (XT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017506	Receptor olfatorio, familia 7, subfamilia C, miembro 1 (OR7C1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003372	Proteína de unión a von Hippel-Lindau 1 (VBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016097	Proteína HSPC039 (HSPC039) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014646	Lipina 2 (LPIN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005880	Homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia A, miembro 2 (DNAJA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006755	Transaldolasa 1 (TALDO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005137	Gen de región crítica de síndrome de DiGeorge 2 (DGCR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000022	Adenosindesaminasa (ADA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003215	Proteína tirosina cinasa tec (TEC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018425	Fosfatidilinositol 4-cinasa tipo II (PI4KII) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025238	Que contiene dominio BTB (POZ) 1 (BTBD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004248	Receptor acoplado a proteína G 10 (GPR10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001642	Proteína tipo precursor de beta amiloide (A4) 2 (APLP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030821	Fosfolipasa secretada por grupo XII A2 (PLA2G12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030820	Proteína DKFZp564B052 hipotética (DKFZp564B052) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030816	Proteína DKFZp566D1346 hipotética (DKFZp566D1346) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030807	Proteína transportadora de glucosa 10 (GLUT10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030798	Proteína DKFZp434D0421 hipotética (DKFZp434D0421) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030797	Proteína DKFZp566A1524 hipotética (DKFZp566A1524) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030788	Proteína transmembrana específica de DC (LOC81501) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030787	Proteína relacionada con factor H 5 (FHR5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030786	Proteína de filamento intermedio sincoilina (SYNCOILIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030785	Ortólogo tipo cabeza de rayo radial de ratón 1 (RSHL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030784	Receptor acoplado a proteína G expresado en cerebro PSP24 beta (PSP24B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030783	Fosfatidilserina sintasa 2 (PTDSS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030779	Miembro de gen relacionado con Eag 2 (ERG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030774	Receptor acoplado a proteína G específico de próstata (PSGR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030772	Conexina 59 (GJA10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030764	Proteína de anclaje a fosfatasa que contiene dominio SH2 1 (SPAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030763	Proteína de unión nucleosómica 1 (NSBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030757	Macorina, proteína de anillo de dedo anular, 4 (MKRN4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_021813	Factor de transcripción de cremallera de leucina básico 2, homología con BTB y CNC 1, (BACH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020819	Proteína KIAA1411 (KIAA1411) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030751	Factor de transcripción 8 (reprime la expresión de interleucina 2) (TCF8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030754	Amiloide de suero A2 (SAA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030752	Complejo t 1 (TCP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030756	Tipo factor de transcripción 7 2 (específico de linfocitos T, caja HMG) (TCF7L2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006010	Rica en arginina, mutada en tumores de etapa temprana (ARMET) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001182	Familia de aldehído deshidrogenasa 7, miembro A1 (ALDH7A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000382	Familia de aldehído deshidrogenasa 3, miembro A2 (ALDH3A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003486	Familia de transportadores de soluto 7 (transportador de aminoácidos catiónicos, sistema y+), miembro 5 (SLC7A5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000694	Familia de aldehído deshidrogenasa 3, miembro B1 (ALDH3B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000693	Familia de aldehído deshidrogenasa 1, miembro A3 (ALDH1A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030381	Miembro de la familia de GLI-Kruppel GLI2 (GLI2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_030380	Miembro de la familia de GLI-Kruppel GLI2 (GLI2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_030379	Miembro de la familia de GLI-Kruppel GLI2 (GLI2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_020166	Metilcrotonoil-Coenzima A carboxilasa 1 (alfa) (MCCC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005270	Miembro de la familia de GLI-Kruppel GLI2 (GLI2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_002381	Precursor de matrilina 3 (MATN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030583	Precursor de matrilina 2 (MATN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002380	Precursor de matrilina 2 (MATN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_002379	Matrilina 1, proteína de matriz de cartílago (MATN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000168	Miembro de familia de GLI-Kruppel GLI3 (síndrome de cefalopolisindactilia de Greig) (GLI3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003462	Dineína, polipéptido intermedio ligero, axonémico (P28) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017493	Hin-1 (HSHIN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005602	Claudina 11 (proteína transmembrana de oligodendrocitos) (CLDN11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001195	Proteína estructural de filamento con perlas 1, filensina (BFSP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004987	Dominios tipo antígeno de células senescentes y LIM 1 (LIMS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000412	Glucoproteína rica en histidina (HRG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_024494	Familia de sitio de integración de MMTV tipo wingless, miembro 2B (WNT2B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito WNT-2B2, ARNm
NM_004993	Enfermedad de Machado-Joseph (ataxia espinocerebelar 3, ataxia olivopontocerebelar 3, dominante autosómica, ataxina 3) (MJD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004185	Familia de sitio de integración de MMTV tipo wingless, miembro 2B (WNT2B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito WNT-2B1, ARNm
NM_024415	Proteína VASA (VASA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004398	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 10 (ARN helicasa) (DDX10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004397	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 6 (ARN helicasa, 54 kD) (DDX6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004396	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 5 (ARN helicasa, 68 kD) (DDX5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030588	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 9 (ARN helicasa A, ADN helicasa nuclear II leucofisina) (DDX9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001357	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 9 (ARN helicasa A, ADN helicasa nuclear II; leucofisina) (DDX9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004660	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His), cromosoma Y (DBY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019039	Proteína VASA (VASA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_012382	Factor sensible a ósmosis (OSRF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000387	Familia de transportadores de solutos 25 (translocasa de carnitina/acilcarnitina), miembro 20 (SLC25A20), proteína mitocondrial codificada por gen nuclear, ARNm
NM_007240	Fosfatasa de especificidad dual 12 (DUSP12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004940	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 7 (ARN helicasa, 52 kD) (DDX7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004939	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 1 (DDX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013366	Subunidad de complejo promotor de anafase 2 (APC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003791	Proteasa de factor de transcripción unido a membrana, sitio 1 (MBTPS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002251	Canal regulado por tensión de potasio, rectificador retardado, subfamilia S, miembro 1 (KCNS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006903	Pirofosfatasa inorgánica (SID6-306) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020956	Periagina (KIAA1620) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015435	Proteína de anillo de cinc doble, Dorfina (DORFIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014338	Fosfatidilserina descarboxilasa (PISD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021954	Proteína de unión comunicante, alfa 3,46 kD (conexina 46) (GJA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_023068	Sialoadesina (SN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022821	Elongación de ácidos grasos de cadena muy larga tipo (FEN1/Elo2, SUR4/Elo3, levadura) 1 (ELOVL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021126	Mercaptopiruvato sulfurtransferasa (MPST) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030666	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado B (albúmina de huevo), miembro 1 (SERPINB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024014	Caja homeótica A6 (HOXA6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030665	Inducida por ácido retinoico 1 (RAI1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030663	Selenoproteína de cápsula mitocondrial (MCSP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030664	Relacionada con fosfotriesterasa (PTER) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030662	Proteína cinasa cinasa activada por mitógeno 2 (MAP2K2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024896	Proteína FLJ23309 hipotética (FLJ23309) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002183	Receptor de interleucina 3, alfa (afinidad baja) (IL3RA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021244	Proteína Rag D; proteína de unión a GTP hipotética DKFZp761H171 (RAGD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005088	Segmento de ADN en secuencia expresada 155 en cromosoma X e Y (únicos) (DXYS155E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016090	Proteína de motivo de unión a ARN 7 (RBM7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013306	Nexina de clasificación 15 (SNX15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018362	Ortólogo probable de LIN-7C de ratón; proteína 3 de LIN-7 de mamífero (LIN-7-C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018300	Proteína de dedo de cinc 83 (HPF1) (ZNF83) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014754	Fosfatidilserina sintasa 1 (PTDSS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006140	Receptor de factor estimulante de colonias 2, alfa, baja afinidad (granulocitos-macrófagos) (CSF2RA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004043	Acetilserotonina O-metiltransferasa (ASMT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002414	Antígeno identificado por anticuerpos monoclonales 12E7, F21 y O13 (MIC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002186	Receptor de interleucina 9 (IL9R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030657	Proteína de membrana intrínseca de cristalino 2 (19 kD) (LIM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014349	Apolipoproteína L, 3 (APOL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022566	Candidato a desarrollo de mesodermo 1 (MESDC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020727	Proteína de dedo de cinc 295 (ZNF295) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_012074	Homólogo de cer-d4 (ratón) (CERD4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000861	Receptor de histamina H1 (HRH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006273	Citocina inducible pequeña A7 (proteína quimiotáctica de monocitos 3) (SCYA7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002395	Enzima málica 1, dependiente de NADP(+), citosólica (ME1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024165	Proteína de dedo de PHD 1 (PHF1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002636	Proteína de dedo de PHD 1 (PHF1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001082	Citocromo P450, subfamilia IVF, polipéptido 2 (CYP4F2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007253	Citocromo P450, subfamilia IVF, polipéptido 8 (CYP4F8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000779	Citocromo P450, subfamilia IVB, polipéptido 1 (CYP4B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001514	Factor de transcripción general IIB (GTF2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004127	Supresor de ruta de proteína G 1 (GPS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024423	Desmocolina 3 (DSC3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dsc3b, ARNm
NM_001941	Desmocolina 3 (DSC3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dsc3a, ARNm
NM_004949	Desmocolina 2 (DSC2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dsc2b, ARNm
NM_024422	Desmocolina 2 (DSC2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dsc2a, ARNm
NM_004948	Desmocolina 1 (DSC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dsc1b, ARNm
NM_024421	Desmocolina 1 (DSC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Dsc1a, ARNm
NM_001923	Proteína de unión a ADN específica de daño 1 (127 kD) (DDB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000425	Molécula de adhesión a células L1 (hidrocefalia, estenosis de acueducto de Silvio 1, síndrome MASA (retraso mental, afasia, braquibasia y pulgares con aducción), paraplejia espástica 1) (L1CAM) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_024003	Molécula de adhesión a células L1 (hidrocefalia, estenosis de acueducto de Silvio 1, síndrome MASA (retraso mental, afasia, braquibasia y pulgares con aducción), paraplejia espástica 1) (L1CAM) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004110	Ferredoxina reductasa (FDXR) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_024417	Ferredoxina reductasa (FDXR) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_023944	Citocromo P450 isoforma 4F12 (CYP4F12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022845	Factor de unión al núcleo, subunidad beta (CBFB) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_022041	Neuropatía axónica gigante (gigaxonina) (GAN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021187	Citocromo P450, subfamilia IVF, polipéptido 11 (CYP4F11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_019599	Receptor del gusto, tipo 2, miembro 1 (TAS2R1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017579	Suprimida en tumores cerebrales malignos 1 (DMBT1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_015670	Proteasa específica de sentrina/SUMO 3 (SEN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012096	Proteína adaptadora que contiene dominio de pH, dominio PTB y motivo de cremallera de leucina (APPL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005392	Proteína de dedo de PHD 2 (PHF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000896	Citocromo P450, subfamilia IVF, polipéptido 3 (leucotrieno B4 omega hidroxilasa) (CYP4F3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022661	Familia SPANX, miembro C (SPANXC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022573	TSPYq1 (TSPYQ1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022089	ATPasa putativa (HSA9947) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025228	Proteína hipotética dJ434014.3 (DJ434014.3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025013	Proteína KIAA1031 (KIAA1031) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025027	Proteína FLJ14260 hipotética (FLJ14260) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022102	Proteína FLJ20958 hipotética (FLJ20958) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021724	Subfamilia del receptor nuclear 1, grupo D, miembro 1 (NR1D1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030570	Proteína MGC10902 hipotética (MGC10902) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025135	Proteína FLJ22297 hipotética (KIAA1695) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024317	Transcrito tipo inmunoglobulina 10 (ILT10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021822	Proteína tipo forbolina MDS019 (MDS019) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017509	ACO para homólogo de serina proteasa (HSRNASPH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005583	Secuencia derivada de leucemia linfoblástica 1 (LYL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020070	Polipéptido tipo inmunoglobulina lambda 1 (IGLL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002383	Proteína de dedo de cinc asociada a MYC (factor de transcripción de unión a purina) (MAZ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016944	Receptor del gusto, tipo 2, miembro 4 (TAS2R4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016943	Receptor del gusto, tipo 2, miembro 3 (TAS2R3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000378	Tumor de Wilms 1 (WT1). variante de transcrito A, ARNm
NM_024426	Tumor de Wilms 1 (WT1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito D, ARNm
NM_024425	Tumor de Wilms 1 (WT1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito C, ARNm
NM_024424	Tumor de Wilms 1 (WT1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito B, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000765	Citocromo P450, subfamilia IIIA, polipéptido 7 (CYP3A7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021570	Caja homeótica tipo BarH 1 (BARX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000068	Canal de calcio, dependiente de tensión, tipo P/Q, subunidad alfa 1A (CACNA1A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_030574	Proteína MGC10327 hipotética (MGC10327) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_030573	Proteína MGC10963 hipotética (MGC10963) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024867	Proteína FLJ23577 hipotética (FLJ23577) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002739	Proteína cinasa C, gamma (PRKCG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020548	Inhibidor de unión a diazepam (modulador del receptor de GABA, proteína de unión a acil-Coenzima A) (DBI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025176	Proteína KIAA0980 (KIAA0980) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003789	Asociada a TNFRSF1A mediante dominio de muerte (TRADD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017541	Cristalina, gamma S (CRYGS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006891	Cristalina, gamma D (CRYGD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020989	Cristalina, gamma C (CRYGC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005210	Cristalina, gamma B (CRYGB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014617	Cristalina, gamma A (CRYGA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002396	Enzima málica 2, dependiente de NAD(+), mitocondrial (ME2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_025268	Proteína MGC4659 hipotética (MGC4659) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025244	Específica de testículo, 10 (TSGA10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025240	Homólogo de B7 3 (B7-H3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025237	Esclerostina (SOST) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025236	Proteína HZFW1 (HZFW1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025235	Tanquirasa 2 (TNKL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025233	Proteína de unión a nucleótido (NBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025232	Proteína FLJ22246 hipotética (FLJ22246) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025218	Proteína de unión a UL16 1 (ULBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025217	Proteína de unión a UL16 2 (ULBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025215	Seudouridina sintasa 1 (PUS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025214	Antígeno tumoral CTCL se57-1 (SE57-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_025212	Proteína de unión a Dvl IDAX (inhibición del complejo de Dvl y Axina) (IDAX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025210	Inhibidor de proteína fosfatasa tipo 1 (I-4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025209	Potenciador de polycomb 1 (EPC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025205	Proteína DKFZp434N185 hipotética (DKFZP434N185) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025198	Proteína tipo factor de terminación de la transcripción (LOC80298) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025193	3-Beta-hidroxi-delta 5-C27-esteroide oxidoreductasa (C(27)-3BETA-HSD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025180	Proteína FLJ13386 hipotética (FLJ13386) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025161	Proteína FLJ22175 hipotética (FLJ22175) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025158	Proteína FLJ22251 hipotética (FLJ22251) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025148	Proteína FLJ12986 hipotética (FLJ12986) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025137	Proteína FLJ21439 hipotética (FLJ21439) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025116	Proteína FLU 12781 hipotética (FLJ12781) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025114	Proteína FLJ13615 hipotética (FLJ13615) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025083	Proteína FLJ21128 hipotética (FLJ21128) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025054	Proteína FLJ23132 hipotética (FLJ23132) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025017	Proteína FLJ13892 hipotética (FLJ13892) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_025011	Proteína FLJ13744 hipotética (FLJ13744) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024995	Proteína FLJ12616 hipotética (FLJ12616) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024987	Proteína FLJ12345 hipotética (FLJ12345) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024900	Proteína FLJ22479 hipotética (FLJ22479) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024874	Proteína FLJ14225 hipotética (FLJ14225) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024873	Proteína FLJ21162 hipotética (FLJ21162) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024861	Proteína FLJ22671 hipotética (FLJ22671) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024836	Proteína FLJ22301 hipotética (FLJ22301) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024822	Proteína FLJ22601 hipotética (FLJ22601) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024819	Proteína FLJ22955 hipotética (FLJ22955) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024816	Proteína FLJ23282 hipotética (FLJ23282) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024803	Proteína FLJ21665 hipotética (FLJ21665) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024795	Proteína FLJ22800 hipotética (FLJ22800) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024767	Proteína FLJ21120 hipotética (FLJ21120) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_024760	Proteína FLJ14009 hipotética (FLJ14009) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024741	Proteína FLJ12827 hipotética (FLJ12827) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024723	Proteína FLJ23471 hipotética (FLJ23471) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024720	Proteína FLJ23510 hipotética (FLJ23510) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024698	Proteína FLJ13044 hipotética (FLJ13044) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024692	Proteína FLJ21069 hipotética (FLJ21069) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024689	Proteína FLJ14103 hipotética (FLJ14103) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024687	Proteína FLJ23049 hipotética (FLJ23049) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024648	Proteína FLJ22222 hipotética (FLJ22222) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024622	Proteína FLJ21901 hipotética (FLJ21901) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024611	Proteína FLJ11896 hipotética (FLJ11896) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024591	Proteína FLJ11749 hipotética (FLJ11749) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024561	Proteína FLJ22054 hipotética (FLJ22054) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024540	Proteína FLJ20917 hipotética (FLJ20917) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024518	Proteína de unión a UL16 3 (ULBP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024515	Proteína MGC4645 hipotética (MGC4645) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024504	Que contiene dominio PR 14 (PRDM14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024501	Caja homeótica D1 (HOXD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006821	Acil-coA tioesterasa de cadena larga peroxisómica (ZAP128) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006680	Enzima málica 3, dependiente de NADP(+), mitocondrial (ME3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001944	Desmogleína 3 (antígeno de pénfigo vulgar) (DSG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001943	Desmogleína 2 (DSG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001942	Desmogleína 1 (DSG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024500	Ortólogo probable de polydom de ratón (POLYDOM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024498	Proteína de dedo de cinc 117 (HPF9) (ZNF117) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018943	Tubulina, tipo alfa 2 (TUBAL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015640	Proteína de unión a ARNm PAI-1 (PAI-RBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015332	Proteína KIAA1068 (KIAA1068) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022001	SMAD en orientación antisentido (DAMS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021708	Receptor tipo Ig asociado a leucocitos 1 (LAIR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito d, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_021706	Receptor tipo Ig asociado a leucocitos 1 (LAIR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_002287	Receptor tipo Ig asociado a leucocitos 1 (LAIR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_004424	Factor de transcripción E4F 1 (E4F1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018834	Matrina 3 (MATR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017830	Antígeno inmunoreactivo de carcinoma de ovario (OCIA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006926	Proteína asociada a pulmón, surfactante A2 (SFTPA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005411	Proteína asociada a pulmón, surfactante A1 (SFTPA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024492	Gen relacionado con apolipoproteína (a) C (APOARGC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024491	Proteína de unión a p10 (BITE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015472	Coactivador transcripcional con motivo de unión a PDZ (TAZ) (TAZ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017797	Que contiene dominio de BTB (POZ) 2 (BTBD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002826	Quiescina Q6 (QSCN6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024010	5-Metoltetrahidrofolato-homocisteína metiltransferasa reductasa (MTRR) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004972	Cinasa Janus 2 (una proteína tirosina cinasa) (JAK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000761	Citocromo P450, subfamilia I (inducible por compuestos aromáticos), polipéptido 2 (CYP1A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000104	Citocromo P450, subfamilia I (inducible por dioxina), polipéptido 1 (glaucoma 3, infantil primario) (CYP1B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000499	Citocromo P450, subfamilia I (inducible por compuestos aromáticos), polipéptido 1 (CYP1A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024318	Transcrito tipo inmunoglobulina 8 (ILT8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021806	Gen 2.19 (2.19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006208	Ectonucleótido pirofosfatasa/fosfodiesterasa 1 (ENPP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007076	Proteína que interacciona con Huntingtina E (HYPE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018571	Región cromosómica de esclerosis lateral amiotrófica 2 (juvenil) candidato 2 (ALS2CR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015049	Región cromosómica de esclerosis lateral amiotrófica 2 (juvenil) candidato 3 (ALS2CR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023036	Cadena intermedia de dineína 2 (DNAI2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022171	Gen alterado de translocación de leucemia de linfocitos T (TCTA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016128	Proteína de la cápside gamma-cop (LOC51137) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021999	Proteína integral de membrana 2B (ITM2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_021992	Timosina, beta, identificada en células de neuroblastoma (TMSNB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021994	Proteína de dedo de cinc 277 (ZNF277) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007257	Antígeno paraneoplásico MA2 (PNMA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021972	Esfingosina cinasa 1 (SPHK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021976	Receptor X retinoide, beta (RXRB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021963	Tipo proteína de ensamblaje de nucleosoma 1 2 (NAP1L2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021978	Supresión de tumorigenicidad 14 (carcinoma de colon, matriptasa, epitina) (ST14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021977	Familia de transportadores de solutos 22 (transportador de monoamina extraneuronal), miembro 3 (SLC22A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021964	Proteína de dedo de cinc 148 (PHZ-52) (ZNF148) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021966	Leucemia/linfoma de linfocitos T 1A (TCL1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012186	Caja forkhead E3 (FOX E3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012182	Caja forkhead B1 (FOX B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006893	Ligatina (LGTN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021955	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), polipéptido con actividad transductora gamma 1 (GNGT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021959	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora (inhibidora) 11 (PP1R11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021951	Factor de transcripción relacionado con doublesex y mab-3 1 (DMRT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021960	Secuencia de leucemia de células mieloides 1 (relacionado con BCL2) (MCL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021952	Tipo ELAV (letal embrionario, visión anómala, <i>Drosophila</i>) 4 (antígeno Hu D) (ELAVL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021949	ATPasa, transporte de Ca ⁺⁺ , membrana plasmática 3 (ATP2B3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021953	Caja forkhead M1 (FOX M1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021956	Receptor de glutamato, ionotrópico, cainato 2 (GRIK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004886	Miembro 3 de familia A de unión a proteína precursora de beta amiloide (A4) (tipo X11 2) (APBA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006557	Factor de transcripción relacionado con doublesex y mab-3 2 (DMRT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002253	Receptor de dominio de inserción de cinasa (una tirosina cinasa receptor tipo III) (KDR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002178	Proteína de unión a factor de crecimiento tipo insulina 6 (IGFBP6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_003850	Succinato-CoA ligasa, formadora de ADP, subunidad beta (SUCLA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003802	Miosina, polipéptido pesado 13, músculo esquelético (MYH13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006958	Proteína de dedo de cinc 16 (KOX 9) (ZNF16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006852	Cinasa tipo tousled 2 (TLK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021229	Netrina 4 (NTN4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015718	NADPH oxidasa 3 (NOX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015003	Golgina-67 (KIAA0855) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006178	Factor sensible a N-etilmaleimida (NSF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003116	Antígeno asociado a esperma 4 (SPAG4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018724	Interleucina 20 (IL20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019083	Proteína hipotética (FLJ10287) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003114	Antígeno asociado a esperma 1 (SPAG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021097	Familia de transportadores de solutos 8 (intercambiador de sodio/calcio), miembro 1 (SLC8A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021102	Inhibidor de serina proteasa, tipo Kunitz, 2 (SPINT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021101	Claudina 1 (CLDN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021095	Familia de transportadores de solutos 5 (transportador de vitamina dependiente de sodio), miembro 6 (SLC5A6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021076	Neurofilamento, polipéptido pesado (200 kD) (NEFH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001751	Cisteinil-ARNt sintetasa (CARS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021074	Flavoproteína de NADH deshidrogenasa (ubiquinona) 2 (24 kD) (NDUFV2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020998	Estimuladora de macrófagos 1 (tipo factor de crecimiento de hepatocitos) (MST1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003147	Sarcoma sinovial, punto de rotura de X 2 (SSX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015392	Proliferación, diferenciación y control neural, 1 (NPDC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020482	Activador de CREM en testículo (ACT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014509	Tipo kraken (BK126B4.1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005132	Rec8p, una fosfoproteína de recombinación meiótica y cohesión de cromátidas hermanas de la familia rad21p (REC8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018896	Canal de calcio, dependiente de tensión, subunidad alfa 1G (CACNA1G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005329	Hialuronano sintasa 3 (HAS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015193	Proteína asociada a citoesqueleto regulada por actividad (ARC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016203	Proteína cinasa, activada por AMP, subunidad no catalítica gamma 2 (PRKAG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000627	Proteína de unión a factor de crecimiento transformante latente beta 1 (LTBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002454	5-Metiltetrahidrofolato-homocisteína metiltransferasa reductasa (MTRR) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001091	Proteína de unión a amilorida 1 (amina oxidasa (que contiene cobre)) (ABP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024016	Caja homeótica B8 (HOXB8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024015	Caja homeótica B4 (HOXB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015227	Proteína KIAA0958 (KIAA0958) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024430	Proteína que interacciona con prolina-serina-treonina fosfatasa 2 (PSTPIP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003588	Culina 4B (CUL4B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016059	Tipo peptidilprolil isomerasa (ciclofilina) 1 (PPIL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014432	Receptor de interleucina 20, alfa (IL20RA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000270	Nucleósido fosforilasa (NP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003021	Que contiene repeticiones de tetratricopéptidos ricos en glutamina (TPR) (SGT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002038	Interferón, proteína inducible alfa (clon IFI-6-16) (G1P3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_022873	Interferón, proteína inducible alfa (clon IFI-6-16) (G1P3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_022872	Interferón, proteína inducible alfa (clon IFI-6-16) (G1P3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_022803	Proteína de desacoplamiento 3 (transportador de protones mitocondrial) (UCP3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito corta, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_003356	Proteína de desacoplamiento 3 (transportador de protones mitocondrial) (UCP3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito larga, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_022810	Familia de transportadores de soluto 25 (transportador mitocondrial, cerebro), miembro 14 (SLC25A14) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito corta, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_003355	Proteína de desacoplamiento 2 (transportador de protones, mitocondrial) (UCP2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_021833	Proteína de desacoplamiento 1 (transportador de protones, mitocondrial) (UCP1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002231	Kangai 1 (supresión de tumorigenicidad 6, próstata; antígeno CD82 (antígeno de leucocitos R2, antígeno detectado por anticuerpo monoclonal e IA4)) (KAI1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004967	Sialoproteína de unión a integrina (sialoproteína de hueso, sialoproteína de hueso II) (IBSP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000490	Arginina vasopresina (neurofina II, hormona antidiurética, diabetes insípida, neurohipofisaria) (AVP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022877	Supervivencia de neurona motora 2, centromérica (SMN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito c, ARNm
NM_022876	Supervivencia de neurona motora 2, centromérica (SMN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_022875	Supervivencia de neurona motora 2, centromérica (SMN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_017411	Supervivencia de neurona motora 2, centromérica (SMN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito d, ARNm
NM_005474	Histona desacetilasa 5 (HDAC5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006037	Histona desacetilasa 4 (HDAC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003474	Dominio de disintegrina a y metaloproteínasa 12 (meltrina alfa) (ADAM12) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000344	Supervivencia de neurona motora 1, telomérica (SMN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito d, ARNm
NM_022874	Supervivencia de neurona motora 1, telomérica (SMN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_006400	Dinactina 2 (P50) (DCTN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021969	Subfamilia del receptor nuclear 0, grupo B, miembro 2 (NR0B2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021967	Factor rico en EDRK pequeño 1A (telomérico) (SERF1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001515	Factor de transcripción general IIH, polipéptido 2 (subunidad de 44 kD) (GTF2H2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003951	Familia de transportadores de solutos 25 (transportador mitocondrial, cerebro), miembro 14 (SLC25A14) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito larga, gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_004277	Proteína de desacoplamiento 4 (UCP4) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_004536	Que contiene repetición de IAP de baculovirus 1 (BIRC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000346	Caja SRY (región determinante del sexo Y) 9 (displasia campomélica, inversión sexual autosómica) (SOX9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003645	Ácido graso-Coenzima A ligasa, cadena muy larga 1 (FACVL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024409	Precursor de péptido natriurético C (NPPC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_024410	Fibra densa externa de colas de espermatozoide 1 (ODF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004180	Activador de NFkB asociado a membrana de familia TRAF (TANK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024332	C6.1A (C6.1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024324	Proteína MGC11256 hipotética (MGC11256) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024315	Proteína MGC4175 hipotética (MGC4175) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
>JM_024311	Proteína hipotética ET (ET) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024309	Proteína MGC4289 hipotética (MGC4289) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024306	Hidroxilasa de ácidos grasos (FAAH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024300	Proteína MGC2217 hipotética (MGC2217) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024296	Proteína MGC1203 hipotética (MGC1203) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024294	Proteína MGC4614 hipotética (MGC4614) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024292	Tipo ubiquitina 5 (UBL5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024012	Receptor de 5-hidroxitriptamina (serotonina) 5A (HTR5A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024123	Miembro de superfamilia de Ly-6 putativa (G6E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021904	Receptor B de ácido gamma-aminobutírico (GABA), 1 (GABBR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_021903	Receptor B de ácido gamma-aminobutírico (GABA), 1 (GABBR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001470	Receptor B de ácido gamma-aminobutírico (GABA), 1 (GABBR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001858	Colágeno, tipo XIX, alfa 1 (COL19A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015071	Regulador de GTPasa asociado a la cinasa de adhesión focal pp125(FAK); proteína KIAA0621 (KIAA0621) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007329	Suprimida en tumores cerebrales malignos 1 (DMBT1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_023004	Receptor de nogo (NOGOR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005371	Tipo metiltransferasa 1 (METTL1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_023033	Tipo metiltransferasa 1 (METTL1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_023032	Tipo metiltransferasa 1 (METTL1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_014289	Calpaína 6 (CAPN6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023089	Calpaína 10 (CAPN10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 7, ARNm
NM_023088	Calpaína 10 (CAPN10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 6, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_023087	Calpaina 10 (CAPN10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_023086	Calpaina 10 (CAPN10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_023085	Calpaina 10 (CAPN10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_023084	Calpaina 10 (CAPN10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_023083	Calpaina 10 (CAPN10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_021251	Calpaina 10 (CAPN10) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 8, ARNm
NM_005083	Factor auxiliar de ribonucleoproteína nuclear pequeña U2, subunidad pequeña 1 (U2AF1RS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023031	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 2 (cinasa expresada en bacterias, receptor de factor de crecimiento de queratinocitos, disostosis craneofacial 1, síndrome de Crouzon, síndrome de Pfeiffer, síndrome de Jackson-Weiss) (FGFR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 13, ARNm
NM_023030	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 2 (cinasa expresada en bacterias, receptor de factor de crecimiento de queratinocitos, disostosis craneofacial 1, síndrome de Crouzon, síndrome de Pfeiffer, síndrome de Jackson-Weiss) (FGFR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 12, ARNm
NM_023028	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 2 (cinasa expresada en bacterias, receptor de factor de crecimiento de queratinocitos, disostosis craneofacial 1, síndrome de Crouzon, síndrome de Pfeiffer, síndrome de Jackson-Weiss) (FGFR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 10, ARNm
NM_022976	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 2 (cinasa expresada en bacterias, receptor de factor de crecimiento de queratinocitos, disostosis craneofacial 1, síndrome de Crouzon, síndrome de Pfeiffer, síndrome de Jackson-Weiss) (FGFR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 9, ARNm
NM_022975	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 2 (cinasa expresada en bacterias, receptor de factor de crecimiento de queratinocitos, disostosis craneofacial 1, síndrome de Crouzon, síndrome de Pfeiffer, síndrome de Jackson-Weiss) (FGFR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 8, ARNm
NM_022974	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 2 (cinasa expresada en bacterias, receptor de factor de crecimiento de queratinocitos, disostosis craneofacial 1, síndrome de Crouzon, síndrome de Pfeiffer, síndrome de Jackson-Weiss) (FGFR2) variante de transcrito 7, ARNm
NM_022973	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 2 (cinasa expresada en bacterias, receptor de factor de crecimiento de queratinocitos, disostosis craneofacial 1, síndrome de Crouzon, síndrome de Pfeiffer, síndrome de Jackson-Weiss) (FGFR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 6, ARNm
NM_022972	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 2 (cinasa expresada en bacterias, receptor de factor de crecimiento de queratinocitos, disostosis craneofacial 1, síndrome de Crouzon, síndrome de Pfeiffer, síndrome de Jackson-Weiss) (FGFR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_022971	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 2 (cinasa expresada en bacterias, receptor de factor de crecimiento de queratinocitos, disostosis craneofacial 1, síndrome de Crouzon, síndrome de Pfeiffer, síndrome de Jackson-Weiss) (FGFR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_022970	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 2 (cinasa expresada en bacterias, receptor de factor de crecimiento de queratinocitos, disostosis craneofacial 1, síndrome de Crouzon, síndrome de Pfeiffer, síndrome de Jackson-Weiss) (FGFR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_022969	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 2 (cinasa expresada en bacterias, receptor de factor de crecimiento de queratinocitos, disostosis craneofacial 1, síndrome de Crouzon, síndrome de Pfeiffer, síndrome de Jackson-Weiss) (FGFR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_015850	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 1 (tirosina cinasa relacionada con fms 2, síndrome de Pfeiffer) (FGFR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_023111	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 1 (tirosina cinasa relacionada con fms 2, síndrome de Pfeiffer) (FGFR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 9, ARNm
NM_023110	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 1 (tirosina cinasa relacionada con fms 2, síndrome de Pfeiffer) (FGFR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 8, ARNm
NM_023109	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 1 (tirosina cinasa relacionada con fms 2, síndrome de Pfeiffer) (FGFR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 7, ARNm
NM_023029	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 2 (cinasa expresada en bacterias, receptor de factor de crecimiento de queratinocitos, disostosis craneofacial 1, síndrome de Crouzon, síndrome de Pfeiffer, síndrome de Jackson-Weiss) (FGFR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 11, ARNm
NM_023108	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 1 (tirosina cinasa relacionada con fms 2, síndrome de Pfeiffer) (FGFR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 6, ARNm
NM_000141	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 2 (cinasa expresada en bacterias, receptor de factor de crecimiento de queratinocitos, disostosis craneofacial 1, síndrome de Crouzon, síndrome de Pfeiffer, síndrome de Jackson-Weiss) (FGFR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_023107	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 1 (tirosina cinasa relacionada con fms 2, síndrome de Pfeiffer) (FGFR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_023106	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 1 (tirosina cinasa relacionada con fms 2, síndrome de Pfeiffer) (FGFR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_023105	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 1 (tirosina cinasa relacionada con fms 2, síndrome de Pfeiffer) (FGFR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_000604	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 1 (tirosina cinasa relacionada con fms 2, síndrome de Pfeiffer) (FGFR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_024018	Butirofilina, subfamilia 2, miembro A3 (BTN2A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017614	Betaína-homocisteína metiltransferasa 2 (BHMT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005434	Proteína BENE (BENE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
m/l 000351	Esteroidesulfatasa (microsómica), arilsulfatasa C, isozima S (STS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024105	Proteína MGC3136 hipotética (MGC3136) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024098	Proteína MGC2574 hipotética (MGC2574) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024096	Proteína MGC5627 hipotética (MGC5627) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024095	Proteína MGC5540 hipotética (MGC5540) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024091	Proteína MGC5297 hipotética (MGC5297) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_024089	Proteína MGC5302 hipotética (MGC5302) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024082	Proteína de ácido carboxiglutámico gamma transmembrana 3 (TMG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024081	Proteína de ácido carboxiglutámico gamma transmembrana 4 (TMG4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024079	Proteína MGC2840 similar a una glucosiltransferasa putativa hipotética (MGC2840) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024078	Proteína MGC3162 hipotética (MGC3162) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024075	Proteína LENG5 (LENG5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024073	Proteína MGC2875 hipotética (MGC2875) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024060	Proteína MGC5395 hipotética (MGC5395) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024056	Proteína MGC5576 hipotética (MGC5576) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024054	Proteína MGC2821 hipotética (MGC2821) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024051	Proteína MGC3077 hipotética (MGC3077) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024047	Proteína MGC3037 hipotética (MGC3037) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024044	Proteína MGC5178 hipotética (MGC5178) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024043	Proteína MGC3101 hipotética (MGC3101) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024035	Proteína MGC3113 hipotética (MGC3113) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024034	Proteína MGC3129 similar a proteína asociada a diferenciación inducida por gangliósidos hipotética (MGC3129) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024009	Proteína de unión comunicante, beta 3, 31 kD (conexina 31) (GJB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_024013	Interferón, alfa 1 (IFNA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000521	Hexosaminidasa B (polipéptido beta) (HEXB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000520	Hexosaminidasa A (polipéptido alfa) (HEXA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006044	Histona desacetilasa 6 (HDAC6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003883	Histona desacetilasa 3 (HDAC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004964	Histona desacetilasa 1 (HDAC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001492	Factor de diferenciación de crecimiento 1 (GDF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018486	Histona desacetilasa 8 (HDAC8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005089	Factor auxiliar de ribonucleoproteína nuclear pequeña U2, subunidad pequeña 2 (U2AF1RS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004285	Hexosa-6-fosfato deshidrogenasa (glucosa 1-deshidrogenasa) (H6PD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007210	UDP-N-acetil-alfa-D-galactosamina:polipéptido N-acetilgalactosaminiltransferasa 6 (GalNAc-T6) (GALNT6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003774	UDP-N-acetil-alfa-D-galactosamina:polipéptido N-acetilgalactosaminiltransferasa 4 (GalNAc-T4) (GALNT4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020474	UDP-N-acetil-alfa-D-galactosamina:polipéptido N-acetilgalactosaminiltransferasa 1 (GalNAc-T1) (GALNT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015507	Dominio tipo EGF, múltiple 6 (EGFL6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004942	Defensina, beta 2 (DEFB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005218	Defensina, beta 1 (DEFB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002474	Miosina, polipéptido pesado 11, músculo liso (MYH11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito SM1, ARNm
NM_022870	Miosina, polipéptido pesado 11, músculo liso (MYH11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito SM3, ARNm
NM_022844	Miosina, polipéptido pesado 11, músculo liso (MYH11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito SM2, ARNm
NM_001755	Factor de unión a núcleo, subunidad beta (CBFB) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_016458	Proteína hipotética (LOC51236) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020836	Proteína KIAA1446 (KIAA1446) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015407	Proteína DKFZP5640243 hipotética (DKFZP5640243) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015062	Proteína KIAA0595 (KIAA0595) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019100	Proteína 1 asociada a ADN metiltransferasa 1 (DMAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015442	Proteína FLJ12890 hipotética (FLJ12890) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_023948	Proteína hipotética AF053356_CDS3 (AF053356_CDS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022036	Receptor acoplado a proteína G, familia C, grupo 5, miembro C (GPRC5C) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_018653	Receptor acoplado a proteína G, familia C, grupo 5, miembro C (GPRC5C) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
MM_000707	Receptor de arginina vasopresina 1B (AVPR1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000706	Receptor de arginina vasopresina 1A (AVPR1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_021923	Tipo receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 1 (FGFRL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002011	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 4 (FGFR4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
MM_022963	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 4 (FGFR4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_022965	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 3 (acondroplasia, enanismo tanatofórico) (FGFR3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000142	Receptor de factor de crecimiento de fibroblastos 3 (acondroplasia, enanismo tanatofórico) (FGFR3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_022336	Ectodisplasina 1, receptor anhidrotico (EDAR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018654	Receptor acoplado a proteína G, familia C, grupo 5, miembro D (GPRC5D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002534	2',5'-Oligoadenilato sintetasa 1 (40-46 kD) (OAS1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito E16, ARNm
NM_016816	2',5'-Oligoadenilato sintetasa 1 (40-46 kD) (OAS1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito E18, ARNm
NM_014501	Proteína transportadora de ubiquitina (E2-EPF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000595	Linfotoxina alfa (superfamilia de TNF, miembro 1) (LTA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007040	Proteína asociada a E1B de 55 kDa 5 (E1B-AP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001232	Calsecuestrina 2 (músculo cardíaco) (CASQ2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001231	Calsecuestrina 1 (contracción rápida, músculo esquelético) (CASQ1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_003925	Proteína de domino de unión a metil-CpG 4 (MBD4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002059	Hormona de crecimiento 2 (GH2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_022558	Hormona de crecimiento 2 (GH2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_022557	Hormona de crecimiento 2 (GH2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_022556	Hormona de crecimiento 2 (GH2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_022562	Hormona de crecimiento 1 (GH1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_022561	Hormona de crecimiento 1 (GH1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_022560	Hormona de crecimiento 1 (GH1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_022559	Hormona de crecimiento 1 (GH1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000515	Hormona de crecimiento 1 (GH1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_021801	Metaloproteinasa de matriz 26 (MMP26) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022718	Metaloproteinasa de matriz 25 (MMP25) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_022468	Metaloproteinasa de matriz 25 (MMP25) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_006690	Metaloproteinasa de matriz 24 (insertada en membrana) (MMP24) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004771	Metaloproteinasa de matriz 20 (enamelisina) (MMP20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002423	Metaloproteinasa de matriz 7 (matrilisina, uterina) (MMP7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002422	Metaloproteinasa de matriz 3 (estromelisina 1, progelatinasa) (MMP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005941	Metaloproteinasa de matriz 16 (insertada en membrana) (MMP16) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_022564	Metaloproteinasa de matriz 16 (insertada en membrana) (MMP16) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002421	Metaloproteinasa de matriz 1 (colagenasa intersticial) (MMP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004995	Metaloproteinasa de matriz 14 (insertada en membrana) (MMP14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002427	Metaloproteinasa de matriz 13 (colagenasa 3) (MMP13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005940	Metaloproteinasa de matriz 11 (estromelisin 3) (MMP11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_022792	Metaloproteinasa de matriz 19 (MMP19) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito rasi-9, ARNm
NM_022791	Metaloproteinasa de matriz 19 (MMP19) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito rasi-6, ARNm
NM_022790	Metaloproteinasa de matriz 19 (MMP19) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito rasi-3, ARNm
NM_002429	Metaloproteinasa de matriz 19 (MMP19) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito rasi-1, ARNm
NM_004530	Metaloproteinasa de matriz 2 (gelatinasa A, gelatinasa de 72 kD, colagenasa tipo IV de 72 kD) (MMP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004994	Metaloproteinasa de matriz 9 (gelatinasa B, gelatinasa de 92 kD, colagenasa tipo IV de 92 kD) (MMP9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004142	Tipo metaloproteinasa de matriz 1 (MMPL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002424	Metaloproteinasa de matriz 8 (colagenasa de neutrófilos) (MMP8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002428	Metaloproteinasa de matriz 15 (insertada en membrana) (MMP15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002426	Metaloproteinasa de matriz 12 (elastasa de macrófagos) (MMP12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002425	Metaloproteinasa de matriz 10 (etromelisin 2) (MMP10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022804	Marco de lectura en la dirección 5' de SNRPN (SNURF) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005678	Marco de lectura en la dirección 5' de SNRPN (SNURF) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_003097	Polipéptido de ribonucleoproteína nuclear pequeña N (SNRPN) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_022808	Polipéptido de ribonucleoproteína nuclear pequeña N (SNRPN) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_022807	Polipéptido de ribonucleoproteína nuclear pequeña N (SNRPN) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_022806	Polipéptido de ribonucleoproteína nuclear pequeña N (SNRPN) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_022805	Polipéptido de ribonucleoproteína nuclear pequeña N (SNRPN) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_022717	Homólogo de proteína de unión a U1-RNPnc (70 kD) (U1SNRNPBP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_006759	UDP-glucosa pirofosforilasa 2 (UGP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001400	Diferenciación endotelial, receptor acoplado a proteína G de esfingolípidos, 1 (EDG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005586	Inhibidor de familia MyoD (MDFI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022978	Factor rico en EDRK pequeño 1B (centromérico) (SERF1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023947	Proteína MGC3234 hipotética (MGC3234) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023942	Proteína MGC3036 hipotética (MGC3036) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023933	Proteína MGC2494 hipotética (MGC2494) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005471	Glucosamina-6-fosfato isomerasa (GNPI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023925	Proteína FLJ22569 hipotética (FLJ22569) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004076	Cristalina, beta B3 (CRYBB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015717	Lectinas tipo c específica de células de Langerhans (LANGERIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012329	Asociada a diferenciación de monocito a macrófago (MMD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007020	Homólogo de proteína de unión a U1-RNPnc (70 kD) (U1SNRNPBP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_006465	Tipo dead ringer (<i>Drosophila</i>) 2 (bright y dead ringer) (DRIL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000015	N-acetiltransferasa 2 (arilamina N-acetiltransferasa) (NAT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000496	Cristalina, beta B2 (CRYBB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001886	Cristalina, beta A4 (CRYBA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023080	Proteína FLJ20989 hipotética (FLJ20989) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023039	Familia A, de repetición a anquirina (tipo RFXANK), 2 (ANKRA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021905	Receptor B de ácido gamma-aminobutírico (GABA), 1 (GABBR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_020554	Leucemia/linfoma de linfocitos T 6 (TCL6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito TCL6d1, ARNm
NM_020553	Leucemia/linfoma de linfocitos T 6 (TCL6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito TCL6c1, ARNm
NM_020552	Leucemia/linfoma de linfocitos T 6 (TCL6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito TCL6b1, ARNm
NM_020550	Leucemia/linfoma de linfocitos T 6 (TCL6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito TCL6a3, ARNm
NM_012468	Leucemia/linfoma de linfocitos T 6 (TCL6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito TCL6a1, ARNm
NM_014418	Leucemia/linfoma de linfocitos T 6 (TCL6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito TCL6a2, ARNm
NM_016730	Receptor de folato 1 (adulto) (FOLR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016729	Receptor de folato 1 (adulto) (FOLR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_016725	Receptor de folato 1 (adulto) (FOLR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_016724	Receptor de folato 1 (adulto) (FOLR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 7, ARNm
NM_016025	Proteína CGI-81 (DREV1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004406	Suprimida en tumores cerebrales malignos 1 (DMBT1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000197	Hidroxiesteroide (17-beta) deshidrogenasa 3 (HSD17B3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001220	Proteína cinasa dependiente de calcio/calmodulina (cinasa CaM) II beta (CAMK2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019071	Familia de inhibidor del crecimiento, miembro 3 (ING3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016731	Receptor de folato 1 (adulto) (FOLR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 8, ARNm
NM_023018	Proteína FLJ13052 hipotética (FLJ13052) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_023016	Proteína FLJ21870 hipotética (FLJ21870) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022911	Familia de transportadores de solutos 26, miembro 6 (SLC26A6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021071	ADP-ribosiltransferasa 4 (ART4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022113	Miembro de la familia de quinesina 13A (KIF13A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012449	Antígeno epitelial de seis transmembranas de la próstata (STEAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016513	Cinasa relacionada con MAK (KIAA0936) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014920	Cinasa relacionada con MAK (KIAA0936) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014688	Relacionada con el extremo N terminal de tre (RNTRE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006640	Fusión tipo septina de MLL (MSF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006070	Gen fusionado con TRK (TFG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004809	Tipo estomatina 1 (STOML1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000297	Enfermedad de riñón poliquístico 2 (autosómico dominante) (PKD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016307	Proteína de caja homeótica relacionada emparejada (PRX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003924	Caja homeótica de mesodermo emparejada 2b (PMX2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006902	Caja homeótica de mesodermo emparejada 1 (PMX1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito pmx-1a, ARNm
NM_022716	Caja homeótica de mesodermo emparejada 1 (PMX1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito pmx-1b, ARNm
NM_000916	Receptor de oxitocina (OXTR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000915	Oxitocina, prepro- (neurofisina I) (OXT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006188	Oncomodulina (OCM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022664	Proteína de matriz extracelular 1 (ECM1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004092	Enoil Coenzima A de hidratasa, cadena corta, 1, mitocondrial (ECHS1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_022652	Fosfatasa de especificidad dual 6 (DUSP6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004419	Fosfatasa de especificidad dual 5 (DUSP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004425	Proteína de matriz extracelular 1 (ECM1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004418	Fosfatasa de especificidad dual 2 (DUSP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004961	Receptor A de ácido gamma-aminobutírico (GABA), épsilon (GABRE) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_021990	Receptor A de ácido gamma-aminobutírico (GABA), épsilon (GABRE) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_021987	Receptor A de ácido gamma-aminobutírico (GABA), épsilon (GABRE) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_021984	Receptor A de ácido gamma-aminobutírico (GABA), épsilon (GABRE) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004090	Fosfatasa de especificidad dual 3 (fosfatasa de virus de la variolovacuna relacionada con VH1) (DUSP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001398	Enoil coenzima A hidratasa 1, peroxisómica (ECH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001946	Fosfatasa de especificidad dual 6 (DUSP6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001952	Factor de transcripción de E2F 6 (E2F6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001950	Factor de transcripción de E2F 4, unión a p107/p130 (E2F4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001949	Factor de transcripción de E2F 3 (E2F3) ARNm, cds completo
NM_005225	Factor de transcripción de E2F 1 (E2F1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022977	Ácido graso-coenzima A ligasa, cadena larga 4 (FACL4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004457	Ácido graso-coenzima A ligasa, cadena larga 3 (FACL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021122	Ácido graso-coenzima A ligasa, cadena larga 2 (FACL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002473	Miosina, polipéptido pesado 9, no muscular (MYH9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001926	Defensina, alfa 6, específica de células Paneth (DEFA6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005217	Defensina, alfa 3, específica de neutrófilos (DEFA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021912	Receptor A de ácido gamma-aminobutírico (GABA), beta 3 (GABRB3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_021911	Receptor A de ácido gamma-aminobutírico (GABA), beta 2 (GABRB2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000814	Receptor A de ácido gamma-aminobutírico (GABA), beta 3 (GABRB3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000812	Receptor A de ácido gamma-aminobutírico (GABA), beta 1 (GABRB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022650	Activador de proteína RAS p21 (proteína activadora de GTPasa) 1 (RASA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003259	Molécula de adhesión intercelular 5, telencefalina (ICAM5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022377	Molécula de adhesión intercelular 4, grupo sanguíneo Landsteiner-Wiener (ICAM4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001544	Molécula de adhesión intercelular 4, grupo sanguíneo Landsteiner-Wiener (ICAM4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_002162	Molécula de adhesión intercelular 3 (ICAM3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000873	Molécula de adhesión intercelular 2 (ICAM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022308	Autoantígeno de células de islotes 1 (69 kD) (ICA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_022307	ARNm
NM_022581	Tipo hormona somatomatotropina coriónica 1 (CSHL1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_022580	Tipo hormona somatomatotropina coriónica 1 (CSHL1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_022579	Tipo hormona somatomatotropina coriónica 1 (CSHL1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_022578	Tipo hormona somatomatotropina coriónica 1 (CSHL1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001318	Tipo hormona somatomatotropina coriónica 1 (CSHL1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_022646	Hormona somatomatotropina coriónica 2 (CSH2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_022645	Hormona somatomatotropina coriónica 2 (CSH2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_022644	Hormona somatomatotropina coriónica 2 (CSH2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_020991	Hormona somatomatotropina coriónica 2 (CSH2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_022642	Hormona somatomatotropina coriónica 1 (lactógeno placentario) (CSH1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_022641	Hormona somatomatotropina coriónica 1 (lactógeno placentario) (CSH1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_022640	Hormona somatomotropina coriónica 1 (lactógeno placentario) (CSH1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001317	Hormona somatomotropina coriónica 1 (lactógeno placentario)) (CSH1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_002371	Mal, proteína de diferenciación de linfocitos T (MAL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_022440	Mal, proteína de diferenciación de linfocitos T (MAL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito d, ARNm
NM_022439	Mal, proteína de diferenciación de linfocitos T (MAL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito c, ARNm
NM_022438	Mal, proteína de diferenciación de linfocitos T (MAL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_001790	Ciclo de división celular 25C (CDC25C) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_022809	Ciclo de división celular 25C (CDC25C) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_021141	Reparación de rayos X que complementa la reparación defectuosa en células de hámster chino 5 (reunión de rotura de doble cadena; autoantígeno Ku, 80 kD) (XRCC5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022550	Reparación de rayos X que complementa la reparación defectuosa en células de hámster chino 4 (XRCC4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_022406	Reparación de rayos X que complementa la reparación defectuosa en células de hámster chino 4 (XRCC4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005432	Reparación de rayos X que complementa la reparación defectuosa en células de hámster chino 3 (XRCC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003401	Reparación de rayos X que complementa la reparación defectuosa en células de hámster chino 4 (XRCC4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_022405	Proteína transportadora de X 3 (XT3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_016192	Proteína transmembrana con dominios tipo EGF y dos tipo folistatina 2 (TMEFF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006786	Urotensina 2 (UTS2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_021995	Urotensina 2 (UTS2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_003353	Urocortina (UCN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021991	Placoglobina de punto de unión (JUP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_021737	Canal de cloruro 6 (CLCN6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito CIC-6d, ARNm
NM_021736	Canal de cloruro 6 (CLCN6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito CIC-6c, ARNm
NM_021735	Canal de cloruro 6 (CLCN6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito CIC-6b, ARNm
NM_006536	Canal de cloruro, activado por calcio, miembro de la familia 2 (CLCA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004000	Tipo quitinasa 3 2 (CHI3L2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002641	Glucano de fosfatidilinositol, clase A (hemoglobinuria nocturna paroxística) (PIGA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_020473	Glucano de fosfatidilinositol, clase A (hemoglobinuria nocturna paroxística) (PIGA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_020472	Glucano de fosfatidilinositol, clase A (hemoglobinuria nocturna paroxística) (PIGA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001699	Receptor de tirosina cinasa AXL (AXL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_021913	Receptor de tirosina cinasa AXL (AXL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_016188	Tipo actina 6 (ACTL6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000509	Fibrinógeno, polipéptido gamma (FGG) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito gamma-A, ARNm
NM_021870	Fibrinógeno, polipéptido gamma (FGG) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito gamma-B, ARNm
NM_005141	Fibrinógeno, polipéptido beta B (FGB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021871	Fibrinógeno, polipéptido alfa A (FGA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito alfa, ARNm
NM_000508	Fibrinógeno, polipéptido alfa A (FGA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito alfa-E, ARNm
NM_000920	Piruvato carboxilasa (PC) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito A, ARNm
NM_022172	Piruvato carboxilasa (PC) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito 2, ARNm
NM_004358	Ciclo de división celular 25B (CDC25B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_021874	Ciclo de división celular 25B (CDC25B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_021873	Ciclo de división celular 25B (CDC25B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_021872	Ciclo de división celular 25B (CDC25B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_020990	Creatina cinasa, mitocondrial 1 (ubicua) (CKMT1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_021962	Gen relacionado con BCR activo (ABR) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001092	Gen relacionado con BCR activo (ABR) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_021794	Dominio de disintegrina a y metaloproteínasa 30 (ADAM30) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001464	Dominio de disintegrina a y metaloproteínasa 2 (fertilina beta) (ADAM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021780	Dominio de disintegrina a y metaloproteínasa 29 (ADAM29) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_021779	Dominio de disintegrina a y metaloproteínasa 29 (ADAM29) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014269	Dominio de disintegrina a y metaloproteinasa 29 (ADAM29) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_021723	Dominio de disintegrina a y metaloproteinasa 22 (ADAM22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021722	Dominio de disintegrina a y metaloproteinasa 22 (ADAM22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021721	Dominio de disintegrina a y metaloproteinasa 22 (ADAM22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016351	Dominio de disintegrina a y metaloproteinasa 22 (ADAM22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021832	Dominio de disintegrina a y metaloproteinasa 17 (factor de necrosis tumoral, alfa, enzima conversora) (ADAM17) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003183	Dominio de disintegrina a y metaloproteinasa 17 (factor de necrosis tumoral, alfa, enzima conversora) (ADAM17) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_003815	Dominio de disintegrina a y metaloproteinasa 15 (metargidina) (ADAM15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021641	Dominio de disintegrina a y metaloproteinasa 12 (meltrina alfa) (ADAM12) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_021612	Dominio de disintegrina a y metaloproteinasa 11 (ADAM11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_006437	Tipo ADP-ribosiltransferasa (NAD ⁺ ; poli (ADP-ribosa) polimerasa) 1 (ADPRTL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001618	ADP-ribosiltransferasa (NAD ⁺ ; poli (ADP-ribosa) polimerasa) (ADPRT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021738	Supervilina (SVIL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003174	Supervilina (SVIL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_002505	Factor de transcripción nuclear Y, alfa (NFYA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_021705	Factor de transcripción nuclear Y, alfa (NFYA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000832	Receptor de glutamato, ionotrópico, N-metil D-aspartato 1 (GRIN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito NR1-1, ARNm
NM_000673	Alcohol deshidrogenasa 7 (clase IV), polipéptido mu o sigma (ADH7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000671	Alcohol deshidrogenasa 5 (clase III), polipéptido chi (ADH5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000670	Alcohol deshidrogenasa 4 (clase II), polipéptido pi (ADH4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001832	Colipasa, pancreática (CLPS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021795	ELK4, proteína de dominio ETS (proteína accesoria SRF 1) (ELK4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_021709	Proteína de unión a CD27 (Siva) (SIVA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_006427	Proteína de unión a CD27 (Siva) (SIVA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_021804	Enzima conversora de angiotensina I (peptidil-dipeptidasa A) 2 (ACE2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020208	Proteína transportadora X 3 (XT3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_021030	Proteína de dedo de cinc 14 (KOX6) (ZNF14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020485	Grupo sanguíneo de Rhesus, antígenos CcEe (RHCE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016232	Tipo receptor de interleucina 1 1 (IL1RL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001680	Regulador del transporte de iones que contiene dominio FXD 2 (FXD2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_021603	Regulador del transporte de iones que contiene dominio FXD 2 (FXD2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_005387	Nucleoporina de 98 kD (NUP98) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021602	Antígeno CD79B (asociado a inmunoglobulina beta) (CD79B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000626	Antígeno CD79B (asociado a inmunoglobulina beta) (CD79B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_021601	Antígeno CD79A (asociado a inmunoglobulina alfa) (CD79A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_021599	Tipo disintegrina a y metaloproteasa (tipo reprotisina) con motivo de trombospondina tipo 1, 2 (ADAMTS2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_006988	Tipo disintegrina a y metaloproteasa (tipo reprotisina) con motivo de trombospondina tipo 1, 1 (ADAMTS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004069	Complejo proteico relacionado con adaptador 2, subunidad sigma 1 (AP2S1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito AP17, ARNm
NM_021575	Complejo proteico relacionado con adaptador 2, subunidad sigma 1 (AP2S1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito AP17 delta, ARNm
NM_021574	Región de grupo de punto de rotura (BCR) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004327	Región de grupo de punto de rotura (BCR) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_007327	Receptor de glutamato, ionotrópico, N-metil D-aspartato 1 (GRIN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito NR1-3, ARNm
NM_021569	Receptor de glutamato, ionotrópico, N-metil D-aspartato 1 (GRIN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito NR 1-2, ARNm
NM_020984	Colina acetiltransferasa (CHAT) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito R, ARNm
NM_020985	Colina acetiltransferasa (CHAT) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito N1, ARNm
NM_020549	Colina acetiltransferasa (CHAT) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito M, ARNm
NM_001615	Actina, gamma 2, músculo liso, entérica (ACTG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020986	Colina acetiltransferasa (CHAT) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito N2, ARNm
NM_018662	Rota en esquizofrenia 1 (DISC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018406	Mucina 4, traqueobronquial (MUC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_017783	Proteína FLJ20357 hipotética (FLJ20357) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004532	Mucina 4, traqueobronquial (MUC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012215	Antígeno expresado en meningioma 5 (hialuronidasa) (MGEA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020326	Casete de unión a ATP, subfamilia D (ALD), miembro 4 (ABCD4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_020325	Casete de unión a ATP, subfamilia D (ALD), miembro 4 (ABCD4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_020324	Casete de unión a ATP, subfamilia D (ALD), miembro 4 (ABCD4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_020323	Casete de unión a ATP, subfamilia D (ALD), miembro 4 (ABCD4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_020298	Casete de unión a ATP, subfamilia C (CFTR/MRP), miembro 9 (ABCC9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito SUR2A-delta-14, ARNm
NM_020297	Casete de unión a ATP, subfamilia C (CFTR/MRP), miembro 9 (ABCC9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito SUR2B, ARNm
NM_021270	Receptor tipo Ig asociado a leucocitos 2 (LAIR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002288	Receptor tipo Ig asociado a leucocitos 2 (LAIR2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_020983	Adenilato ciclasa 6 (ADCY6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_015270	Adenilato ciclasa 6 (ADCY6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_020987	Anquirina 3, nódulo de Ranvier (anquirina G) (ANK3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_020977	Anquirina 2, neuronal (ANK2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001148	Anquirina 2, neuronal (ANK2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_020481	Anquirina 1, eritrocítica (ANK1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 8, ARNm
NM_020480	Anquirina 1, eritrocítica (ANK1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 7, ARNm
NM_020479	Anquirina 1, eritrocítica (ANK1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 6, ARNm
NM_020478	Anquirina 1, eritrocítica (ANK1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_020477	Anquirina 1, eritrocítica (ANK1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000037	Anquirina 1, eritrocítica (ANK1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_020476	Anquirina 1, eritrocítica (ANK1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_020475	Anquirina 1, eritrocítica (ANK1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_021056	Esclerosis tuberosa 2 (TSC2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_021055	Esclerosis tuberosa 2 (TSC2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000548	Esclerosis tuberosa 2 (TSC2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004041	Arrestina, beta 1 (ARRB1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_020251	Arrestina, beta 1 (ARRB1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000872	Receptor de 5-hidroxitriptamina (serotonina) 7 (acoplado a adenilato ciclasa) (HTR7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_019860	Receptor de 5-hidroxitriptamina (serotonina) 7 (acoplado a adenilato ciclasa) (HTR7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_019859	Receptor de 5-hidroxitriptamina (serotonina) 7 (acoplado a adenilato ciclasa) (HTR7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito d, ARNm
NM_004228	Dominios de homología de pleckstrina Sec7 y superenrollado 2 (citohesina-2) (PSCD2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_017457	Dominios de homología de pleckstrina Sec7 y superenrollado 2 (citohesina-2) (PSCD2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004302	Receptor de activina A, tipo IB (ACVR1B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_020328	Receptor de activina A, tipo IB (ACVR1B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_020327	Receptor de activina A, tipo IB (ACVR1B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_012082	Friend de GATA2 (FOG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000578	Familia de transportadores de solutos 11 (transportadores de iones metálicos divalentes acoplados a protones), miembro 1 (SLC11A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021094	Familia de transportadores de solutos 21 (transportador de aniones orgánicos), miembro 3 (SLC21A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003739	Familia de aldo-ceto reductasa 1, miembro C3 (3-alfa hidroxiesteroide deshidrogenasa, tipo II) (AKR1C3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000735	Hormonas glucoproteicas, polipéptido alfa (CGA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014272	Tipo disintegrina a y metaloproteasa (tipo repolisina) con motivo de trombospondina tipo 1, 7 (ADAMTS7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019863	Factor de coagulación VIII, componente procoagulante (hemofilia A) (F8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000132	Factor de coagulación VIII, componente procoagulante (hemofilia A) (F8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_019616	Factor de coagulación VII (acelerador de conversión de protrombina en el suero) (F7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000131	Factor de coagulación VII (acelerador de conversión de protrombina en el suero) (F7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_007219	Proteína de dedo anular 24 (RNF24) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021010	Defensina, alfa 5, específica de células Paneth (DEFA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016250	Gen regulador en la dirección 3' de N-myc 2 (NDRG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020525	Interleucina 22 (IL22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006774	Indoletilamina N-metiltransferasa (INMT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014310	Similar a Ras de ratón, inducida por dexametasona 1 (RASD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020322	Canal de cationes sensibles a amilorida 3, testículo (ACCN3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_020321	Canal de cationes sensibles a amilorida 3, testículo (ACCN3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_020334	Dominio disintegrina a y metaloproteinasa 30 (ADAM30) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_019559	Factor de coagulación XI (antecedente de tromboplastina en plasma) (F11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000128	Factor de coagulación XI (antecedente de tromboplastina en plasma) (F11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000443	Casete de unión a ATP, subfamilia B (MDR/TAP), miembro 4 (ABCB4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A, ARNm
NM_018850	Casete de unión a ATP, subfamilia B (MDR/TAP), miembro 4 (ABCB4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito C, ARNm
NM_018849	Casete de unión a ATP, subfamilia B (MDR/TAP), miembro 4 (ABCB4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito B, ARNm
NM_020038	Casete de unión a ATP, subfamilia C (CFTR/MRP), miembro 3 (ABCC3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito MRP3B, ARNm
NM_020037	Casete de unión a ATP, subfamilia C (CFTR/MRP), miembro 3 (ABCC3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito MRP3A, ARNm
NM_003786	Casete de unión a ATP, subfamilia C (CFTR/MRP), miembro 3 (ABCC3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito MRP3, ARNm
NM_019624	Casete de unión a ATP, subfamilia B (MDR/TAP), miembro 9 (ABCB9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_019625	Casete de unión a ATP, subfamilia B (MDR/TAP), miembro 9 (ABCB9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004996	Casete de unión a ATP, subfamilia C (CFTR/MRP), miembro 1 (ABCC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_019902	Casete de unión a ATP, subfamilia C (CFTR/MRP), miembro 1 (ABCC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 7, ARNm
NM_019901	Casete de unión a ATP, subfamilia C (CFTR/MRP), miembro 1 (ABCC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 6, ARNm
NM_019900	Casete de unión a ATP, subfamilia C (CFTR/MRP), miembro 1 (ABCC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_019899	Casete de unión a ATP, subfamilia C (CFTR/MRP), miembro 1 (ABCC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_019898	Casete de unión a ATP, subfamilia C (CFTR/MRP), miembro 1 (ABCC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_019862	Casete de unión a ATP, subfamilia C (CFTR/MRP), miembro 1 (ABCC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_019903	Aducina 3 (gamma) (ADD3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001640	N-acilaminoacil-péptido hidrolasa (APEH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019858	Proteína A (A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A-2, ARNm
NM_000407	Glucoproteína Ib (Plaquetas), polipéptido beta (GP1BB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015675	Detención del crecimiento inducible por daño a ADN, beta (GADD45B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016824	Aducina 3 (gamma) (ADD3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_020039	Canal catiónico sensible a amilorida 2, neuronal (ACCN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_005388	Tipo fosducina (PDCL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017585	Familia de transportadores de solutos 2 (transportador de glucosa facilitado), miembro 6 (SLC2A6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020238	Antígenos proteicos de centrómero interno (135 kD, 155 kD) (INCENP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006908	Sustrato 1 de toxina botulínica relacionada con ras C3 (familia rho, proteína de unión a GTP pequeña Rac1) (RAC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Rac1, ARNm
NM_018890	Sustrato 1 de toxina botulínica relacionada con ras C3 (familia rho, proteína de unión a GTP pequeña Rac1) (RAC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito Rac1b, ARNm
NM_018891	Laminina, gamma 2 (niceína (100 kD), kalinina (105 kD), BM600 (100 kD), epidermólisis bullosa juntural de Herlitz)) (LAMC2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_013430	Gamma-glutamyltransferasa 1 (GGT1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_013421	Gamma-glutamyltransferasa 1 (GGT1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004954	Cinasa de motivo ELKL (EMK1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_017490	Cinasa de motivo ELKL (EMK1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004105	Proteína de matriz extracelular tipo fibulina que contiene EGF 1 (EFEMP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_002403	Proteína asociada a microfibrillas 2 (MFAP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_017459	Proteína asociada a microfibrillas 2 (MFAP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_005115	Proteína en bóveda (MVP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_017458	Proteína en bóveda (MVP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018894	Proteína de matriz extracelular tipo fibulina que contiene EGF1 (EFEMP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_016519	Ameloblastina, proteína de matriz de esmalte (AMBN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017492	Proteína relacionada con ataxina 2 (A2LP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_007193	Anexina A10 (ANXA10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019102	Caja homeótica A5 (HOXA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018971	Receptor acoplado a proteína G 27 (GPR27) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003379	Vilina 2 (ezrina) (VIL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016830	Proteína de membrana asociada a vesícula 1 (sinaptobrevina 1) (VAMP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito VAMP-1B, ARNm
NM_014231	Proteína de membrana asociada a vesícula 1 (sinaptobrevina 1) (VAMP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito VAMP-1A, ARNm
NM_017489	Factor de unión a repetición telomérica (que interacciona con NIMA) 1 (TERF1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_003218	Factor de unión a repetición telomérica (que interacciona con NIMA) 1 (TERF1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_017455	Receptor de factor derivado de célula estromal 1 (SDFR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito alfa, ARNm
NM_007098	Clatrina, tipo polipéptido pesado 1 (CLTCL1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_017451	Proteína asociada a BAI1 2 (BAIAP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_017450	Proteína asociada a BAI1 2 (BAIAP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001617	Aducina 2 (beta) (ADD2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta-1, ARNm
NM_017488	Aducina 2 (beta) (ADD2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta-4, ARNm
NM_017487	Aducina 2 (beta) (ADD2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta-6b, ARNm
NM_017486	Aducina 2 (beta) (ADD2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta-6a, ARNm
NM_017485	Aducina 2 (beta) (ADD2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta-5a, ARNm
NM_017484	Aducina 2 (beta) (ADD2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta-3b, ARNm
NM_017483	Aducina 2 (beta) (ADD2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta-3a, ARNm
NM_017482	Aducina 2 (beta) (ADD2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta-2, ARNm
NM_018561	Proteína DKFZP586D2223 hipotética (DKFZP586D2223) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018413	Condroitín 4-sulfotransferasa (C4ST) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017835	Marco de lectura abierto 59 del cromosoma 21 (C21ORF59) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018226	Tipo arginil aminopeptidasa (aminopeptidasa B) 1 (RNPEPL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018204	Proteína asociada a citoesqueleto 2 (CKAP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018200	Grupo de alta movilidad 20A (HMG20A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017595	Proteína tipo Ras que interacciona con I-kappa-B 2 (KBRAS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017613	Vecino en la dirección 3' de SON (DONSON) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017596	Proteína KIAA0449 (KIAA0449) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017456	Dominios de homología de pleckstrina, Sec7 y superenrollado 1 (citohesina 1) (PSCD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_016829	8-Oxoguanina ADN glucosilasa (OGG1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito 2e, ARNm
NM_016828	8-Oxoguanina ADN glucosilasa (OGG1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito 2d, ARNm
NM_016827	8-Oxoguanina ADN glucosilasa (OGG1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito 2c, ARNm
NM_016826	8-Oxoguanina ADN glucosilasa (OGG1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito 2b, ARNm
NM_016821	8-Oxoguanina ADN glucosilasa (OGG1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito 2a, ARNm
NM_016820	8-Oxoguanina ADN glucosilasa (OGG1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito 1c, ARNm
NM_016819	8-Oxoguanina ADN glucosilasa (OGG1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito 1b, ARNm
NM_002197	Aconitasa 1, soluble (ACO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016841	Proteína asociada a microtúbulo tau (MAPT) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_016835	Proteína asociada a microtúbulo tau (MAPT) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_016834	Proteína asociada a microtúbulo tau (MAPT) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_016938	Proteína de matriz extracelular tipo fibulina que contiene EGF 2 (EFEMP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005569	Cinasa de dominio LIM 2 (LIMK2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2a, ARNm
NM_016733	Cinasa de dominio LIM 2 (LIMK2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2b, ARNm
NM_002314	Cinasa de dominio LIM 1 (LIMK1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_016735	Cinasa de dominio LIM 1 (LIMK1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito dLIMK, ARNm
NM_006855	Receptor de retención de proteína del retículo endoplásmico KDEL (Lys-Asp-Glu-Leu) 3 (KDEL3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_016657	Receptor de retención de proteína del retículo endoplásmico KDEL (Lys-Asp-Glu-Leu) 3 (KDEL3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002101	Glucoforina C (grupo sanguíneo Gerbich) (GYPC) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016815	Glucosforina C (grupo sanguíneo Gerbich) (GYPC) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005242	Tipo receptor de factor de coagulación II (trombina) 1 (F2RL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016818	Casete de unión a ATP, subfamilia G (WHITE), miembro 1 (ABCG1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004915	Casete de unión a ATP, subfamilia G (WHITE), miembro 1 (ABCG1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_002542	8-Oxoguanina ADN glucosilasa (OGG1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito 1a, ARNm
NM_000665	Acetilcolinesterasa (grupo sanguíneo YT) (ACHE) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito E4-E6, ARNm
NM_013999	Caja homeótica de mesénquima 1 (MEOX1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_003927	Proteína de dominio de unión a metil-CpG 2 (MBD2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_015832	Proteína de dominio de unión a metil-CpG 2 (MBD2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito específica de testículo, ARNm
NM_002384	Proteína de dominio de unión a metil-CpG 1 (MBD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_015847	Proteína de dominio de unión a metil-CpG 1 (MBD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito PCM1, ARNm
NM_015846	Proteína de dominio de unión a metil-CpG 1 (MBD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de 1, ARNm
NM_015845	Proteína de dominio de unión a metil-CpG 1 (MBD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de 2, ARNm
NM_015844	Proteína de dominio de unión a metil-CpG 1 (MBD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de 3, ARNm
NM_002311	Ligasa III, ADN, dependiente de ATP (LIG3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta, ARNm
NM_013975	Ligasa III, ADN, dependiente de ATP (LIG3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito alfa, ARNm
NM_014190	Aducina 1 (alfa) (ADD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_014189	Aducina 1 (alfa) (ADD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001119	Aducina 1 (alfa) (ADD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_015831	Acetilcolinesterasa (grupo sanguíneo YT) (ACHE) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito E4-E5, ARNm
NM_016572	Proteasa específica de ubiquitina 21 (USP21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016388	Molécula que interacciona con receptor de linfocitos T (TRIM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016272	Transductor de ERBB2, 2 (TOB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016135	Factor de transcripción ets (TEL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016247	Proteoglucano de matriz de interfotoreceptor 200 (SPACRCAN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016334	Receptor acoplado a proteína G putativa (SH120) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016124	Grupo sanguíneo Rhesus, antígeno D (RHD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015865	Familia de transportadores de solutos 14 (transportador de urea), miembro 1 (grupo sanguíneo Kidd) (SLC14A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016112	Tipo enfermedad de riñón poliquístico 2 1 (P KD2L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016318	Receptor purinérgico P2X, canal de iones abierto por ligando, 2 (P2RX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016653	Cinasa que contiene cremallera de leucina y motivo estéril alfa AZK (ZAK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016556	GT198, ORF completa (HUMGT198A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016431	Proteína 2 que interacciona con proteína cinasa activada por mitógeno 8 (MAPK8IP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016377	Proteína de anclaje a cinasa A (PRKA) 7 (AKAP7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016346	Subfamilia de receptor nuclear 2, grupo E, miembro 3 (NR2E3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016325	Proteína de dedo de cinc 274 (ZNF274) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016324	Proteína de dedo de cinc 274 (ZNF274) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016293	Integrador de enlace 2 (BIN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015909	Proteína amplificada por neuroblastoma (LOC51594) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015890	Displasia espodiloepifisaria, tardía, pseudogen (SEDLP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015885	Homólogo de PCF11p (PCF11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015991	Componente de complemento 1, subcomponente q, polipéptido alfa (C1QA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016201	Proteína superenrollada de Lemman (LCCP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016157	Trofinina (TRO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015869	Receptor activado proliferativo de peroxisoma, gamma (PPARG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016615	Familia de transportadores de solutos 6 (transportador de neurotransmisores, GABA), miembro 13 (SLC6A13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016389	Proteína de unión a NS1 (NS1-BP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016648	Proteína HDCMA18P (HDCMA18P) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016527	Hidroxiácido oxidasa 2 (cadena larga) (HAO2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016263	Proteína Fzr1 (FZR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016602	Receptor acoplado a proteína G 2 (GPR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015892	Proteína asociada a RAG de linfocitos B (BRAG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016187	Integrador de enlace 2 (BIN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003373	Vinculina (VCL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito VCL, ARNm
NM_014000	Vinculina (VCL) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito meta-VCL, ARNm
NM_013992	Gen de caja emparejada 8 (PAX8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito PAX8E, ARNm
NM_013988	Enfermedad de Parkinson (recesiva autosómica, juvenil) 2, parkina (PARK2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_013987	Enfermedad de Parkinson (recesiva autosómica, juvenil) 2, parkina (PARK2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_013985	Neuregulina 2 (NRG2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 6, ARNm
NM_013984	Neuregulina 2 (NRG2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_013983	Neuregulina 2 (NRG2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_013982	Neuregulina 2 (NRG2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_013981	Neuregulina 2 (NRG2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_013964	Neuregulina 1 (NRG1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito HRG-alfa, ARNm
NM_013962	Neuregulina 1 (NRG1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito GGF2, ARNm
NM_013961	Neuregulina 1 (NRG1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito GGF, ARNm
NM_013960	Neuregulina 1 (NRG1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito ndf43, ARNm
NM_013959	Neuregulina 1 (NRG1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito SMDF, ARNm
NM_013958	Neuregulina 1 (NRG1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito HRG-beta3, ARNm
NM_013957	Neuregulina 1 (NRG1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito HRG-beta2, ARNm
NM_013956	Neuregulina 1 (NRG1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito HRG-beta1, ARNm
NM_013955	NADPH oxidasa 1 (NOX1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito NOH-1Lv, ARNm
NM_013954	NADPH oxidasa 1 (NOX1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito NOH-1S, ARNm
NM_013995	Proteína de membrana asociada a lisosoma 2 (LAMP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito LAMP2B, ARNm
NM_007334	Subfamilia de receptor tipo lectina de células citolíticas D, miembro 1 (KLRD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_002262	Subfamilia de receptor tipo lectina de células citolíticas D, miembro 1 (KLRD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_013976	Glutaril-coenzima A deshidrogenasa (GCDH) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito 2, ARNm
NM_015841	Adenosindesaminasa, específica de ARN (ADAR) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito ADAR- c, ARNm
NM_015840	Adenosindesaminasa, específica de ARN (ADAR) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito ADAR- b, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001111	Adenosindesaminasa, específica de ARN (ADAR) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito ADAR- a, ARNm
NM_014925	Proteína KIAA1002 (KIAA1002) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014905	Glutaminasa (GLS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014833	Producto génico de KIAA0618 (KIAA0618) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014863	Proteína asociada a RAG de linfocitos B (BRAG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015646	RAP1B, miembro de la familia oncogénica RAS (RAP1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015423	Aminoadipato-semialdehído deshidrogenasa-fosfopanteteinil transferasa (AASDHPPT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015523	Nucleasa de fragmento pequeño (DKFZP566E144) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014397	Cinasa relacionada con NIMA (gen nunca en mitosis a) 6 (NEK6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014249	Subfamilia de receptor nuclear 2, grupo E, miembro 3 (NR2E3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014361	Contactina 5 (CNTN5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014341	Homólogo de transportador mitocondrial 1 (MTCH1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_014556	Síndrome de Ellis van Creveld (EVC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014306	Proteína hipotética (HSPC117) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014593	Proteína de unión a CpG (CGBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014567	Resistencia antiestrógenos de cáncer de mama 1 (BCAR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014273	Tipo disintegrina a y metaloproteasa (tipo reprotisina) con motivo de trombospondina tipo 1, 6 (ADAMTS6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014244	Tipo disintegrina a y metaloproteasa (tipo reprotisina) con motivo de trombospondina tipo 1, 6 (ADAMTS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014449	Proteína A (A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A-1, ARNm
NM_007319	Presenilina 1 (enfermedad de Alzheimer 3) (PSEN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito I-374, ARNm
NM_007318	Presenilina 1 (enfermedad de Alzheimer 3) (PSEN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito I-463, ARNm
NM_013953	Gen de caja emparejada 8 (PAX8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito PAX8D, ARNm
NM_013952	Gen de caja emparejada 8 (PAX8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito PAX8C, ARNm
NM_013951	Gen de caja emparejada 8 (PAX8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito PAX8B, ARNm
NM_013945	Gen de caja emparejada 7 (PAX7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_013942	Gen de caja emparejada 3 (síndrome de Waardenburg 1) (PAX3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito PAX3B, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_013411	Adenilato cinasa 2 (AK2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito AK2B, ARNm
NM_000631	Factor citosólico de neutrófilos 4 (40 kD) (NCF4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_013416	Factor citosólico de neutrófilos 4 (40 kD) (NCF4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_006125	Proteína activadora de GTPasa Rho 6 (ARHGAP6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_013427	Proteína activadora de GTPasa Rho 6 (ARHGAP6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_013423	Proteína activadora de GTPasa Rho 6 (ARHGAP6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 4, ARNm
NM_013422	Proteína activadora de GTPasa Rho 6 (ARHGAP6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 5, ARNm
NM_001174	Proteína activadora de GTPasa Rho 6 (ARHGAP6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_013436	Proteína asociada a NCK 1 (NCKAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012310	Miembro de la familia de kinesina 4A (KIF4A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013449	Bromodominio adyacente a dominio de dedo de cinc, 2A (BAZ2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007333	Subfamilia de receptor tipo lectina de células citolíticas C, miembro 3 (KLRC3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito NKG2-H, ARNm
NM_007328	Subfamilia de receptor tipo lectina de células citolíticas C, miembro 1 (KLRC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito NKG2-B, ARNm
NM_002259	Subfamilia de receptor tipo lectina de células citolíticas C, miembro 1 (KLRC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito NKG2-A, ARNm
NM_004214	Proteína de unión intracelular (ácida) a factor de crecimiento de fibroblastos (FIBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006350	Folistatina (FST) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito FST317, ARNm
NM_013409	Folistatina (FST) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito FST344, ARNm
NM_013324	Proteína que contiene SH2 inducible por citosina (CISH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012486	Presenilina 2 (enfermedad de Alzheimer 4) (PSEN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_012485	Receptor de motilidad mediado por hialuronano (RHAMM) (HMMR) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_012484	Receptor de motilidad mediado por hialuronano (RHAMM) (HMMR) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_012483	Granulisina (GNLY) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 519, ARNm
NM_006433	Granulisina (GNLY) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito NKG5, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001930	Desoxihipusina sintasa (DHPS) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_013407	Desoxihipusina sintasa (DHPS) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_013406	Desoxihipusina sintasa (DHPS) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_013229	Factor activador de proteasa apoptótica (APAF1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_013251	Taquiquina 3 (neuromedina K, beta neuroquinina) (TAC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013396	Proteasa específica de ubiquitina 25 (USP25) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013255	Musquelina 1, mediador intercelular que contiene motivos de kelch (MKLN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013290	GT198, ORF completa (HUMG198A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005102	Proteína zeta 2 de fasciculación y elongación (zigina II) (FEZ2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004830	Cofactor requerido para activación transcripcional de Sp1, subunidad 3 (130 kD) (CRSP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_009588	Linfotoxina beta (superfamilia de TNF, miembro 3) (LTB) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_013227	Agrecano 1 (proteoglucano de condroitín sulfato 1, proteoglucano de agregación grande, antígeno identificado por anticuerpo monoclonal A0122) (AGC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_012475	Proteasa específica de ubiquitina 21 (USP21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012428	Receptor de factor derivado de célula estromal 1 (SDFR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito beta, ARNm
NM_012226	Receptor purinérgico P2X, canal de iones abierto por ligando, 2 (P2RX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012369	Receptor olfatorio, familia 2, subfamilia F, miembro 1 (OR2F1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012218	Factor de unión a potenciador de interleucina 3, 90 kD (ILF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012324	Proteína 2 que interacciona con proteína cinasa activada por mitógeno 8 (MAPK8IP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012405	Isoprenilcisteína carboxil metiltransferasa (ICMT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012070	Atractina (ATRN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006874	Factor tipo E74 2 (factor de transcripción de dominio ets) (ELF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007308	Sinucleína, alfa (componente no A4 de precursor amiloide) (SNCA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito NACP112, ARNm
NM_000345	Sinucleína, alfa (componente no A4 de precursor amiloide) (SNCA) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito NACP140, ARNm
NM_009589	Arilsulfatasa D (ARSD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001158	Amina oxidasa, que contiene cobre 2 (específica de retina) (AOC2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005910	Proteína asociada a microtúbulo tau (MAPT) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_007338	Suprimida en cáncer de pulmón y esofágico 1 (DLEC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito DLEC1-L1, ARNm
NM_007337	Suprimida en cáncer de pulmón y esofágico 1 (DLEC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito DLEC1-S3, ARNm
NM_007336	Suprimida en cáncer de pulmón y esofágico 1 (DLEC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito DLEC1-S2, ARNm
NM_007335	Suprimida en cáncer de pulmón y esofágico 1 (DLEC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito DLEC1-S1, ARNm
NM_005106	Suprimida en cáncer de pulmón y esofágico 1 (DLEC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito DLEC1-N1, ARNm
NM_005002	Subcomplejo 1 alfa de NADH deshidrogenasa (ubiquinona), 9 (39 kD) (NDUFA9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003771	Queratina, pelo, ácida, 6 (KRTHA6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000438	Gen de caja emparejada 3 (síndrome de Waardenburg 1) (PAX3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito PAX3A, ARNm
NM_007052	NADPH oxidasa 1 (NOX1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito NOH-1L, ARNm
NM_006715	Manosidasa, alfa, clase 2C, miembro 1 (MAN2C1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007325	Receptor de glutamato, ionotrófico, AMPA 3 (GRIA3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito flip, ARNm
NM_005813	Proteína cinasa C, nu (PRKCN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000398	Diaforasa (NADH) (citocromo b-5 reductasa) (DIA1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito M, ARNm
NM_007306	Cáncer de mama 1, aparición temprana (BRCA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BRCA1-exon4, ARNm
NM_007305	Cáncer de mama 1, aparición temprana (BRCA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BRCA1-delta9-10-11b, ARNm
NM_007304	Cáncer de mama 1, aparición temprana (BRCA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BRCA1-delta11b, ARNm
NM_007303	Cáncer de mama 1, aparición temprana (BRCA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BRCA1-delta11, ARNm
NM_007302	Cáncer de mama 1, aparición temprana (BRCA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BRCA1-delta9-10, ARNm
NM_007301	Cáncer de mama 1, aparición temprana (BRCA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BRCA1-delta15-17, ARNm
NM_007300	Cáncer de mama 1, aparición temprana (BRCA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BRCA1-delta14-18, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_007299	Cáncer de mama 1, aparición temprana (BRCA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BRCA1-delta14-17, ARNm
NM_007298	Cáncer de mama 1, aparición temprana (BRCA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BRCA1-delta9-11, ARNm
NM_007297	Cáncer de mama 1, aparición temprana (BRCA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BRCA1-delta2-10, ARNm
NM_007296	Cáncer de mama 1, aparición temprana (BRCA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BRCA1a', ARNm
NM_007295	Cáncer de mama 1, aparición temprana (BRCA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BRCA1b, ARNm
NM_007294	Cáncer de mama 1, aparición temprana (BRCA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BRCA1a, ARNm
NM_007322	Proteína de unión a RAN 3 (RANBP3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito RANBP3-d, ARNm
NM_007321	Proteína de unión a RAN 3 (RANBP3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito RANBP3-c, ARNm
NM_007320	Proteína de unión a RAN 3 (RANBP3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito RANBP3-b, ARNm
NM_000754	Catecol-O-metiltransferasa (COMT) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito MB-COMT, ARNm
NM_007310	Catecol-O-metiltransferasa (COMT) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito S-COMT, ARNm
NM_000714	Receptor de benzodiazepina (periférico) (BZRP) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito PBR, ARNm
NM_007311	Receptor de benzodiazepina (periférico) (BZRP) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito PBR-S, ARNm
NM_007314	Homólogo 2 de oncogén vírico de leucemia murina de Abelson v-abl (arg, gen relacionado con Abelson) (ABL2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_007313	Homólogo 1 de oncogén vírico de leucemia murina de Abelson v-abl (ABL1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_005157	Homólogo 1 de oncogén vírico de leucemia murina de Abelson v-abl (ABL1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_006325	RAN, miembro de la familia oncogénica RAS (RAN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000902	Metalo-endopeptidasa de membrana (endopeptidasa neutra, encefalinasa, CALLA, CD10) (MME) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_007289	Metalo-endopeptidasa de membrana (endopeptidasa neutra, encefalinasa, CALLA, CD10) (MME) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2b, ARNm
NM_007288	Metalo-endopeptidasa de membrana (endopeptidasa neutra, encefalinasa, CALLA, CD10) (MME) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2a, ARNm
NM_007287	Metalo-endopeptidasa de membrana (endopeptidasa neutra, encefalinasa, CALLA, CD10) (MME) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1bis, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006481	Factor de transcripción 2, hepático; LF-B3; factor nuclear hepático variante (TCF2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_006884	Caja homeótica de estatura corta 2 (SHOX2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito SHOX2a, ARNm
NM_003030	Caja homeótica de estatura corta 2 (SHOX2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito SHOX2b, ARNm
NM_003005	Selectina P (proteína de membrana granular de 140 kD, antígeno CD62) (SELP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006718	Tipo gen de adenoma pleiomórfico 1 (PLAGL1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005888	Familia de transportadores de solutos 25 (transportador mitocondrial; transportador de fosfato); miembro 3 (SLC25A3) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito 1a, ARNm
NM_006491	Antígeno ventral neurooncológico 1 (NOVA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_006489	Antígeno ventral neurooncológico 1 (NOVA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_007088	Calbindina 2, (29 kD, calretinina) (CALB2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito CALB2c, ARNm
NM_007087	Calbindina 2, (29 kD, calretinina) (CALB2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito CALB2b, ARNm
NM_001740	Calbindina 2, (29 kD, calretinina) (CALB2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito CALB2, ARNm
NM_007292	Acil-coenzima A oxidasa 1, palmitoilo (ACOX1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_004035	Acil-coenzima A oxidasa 1, palmitoilo (ACOX1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000632	Integrina, alfa M (receptor de componente del complemento 3, alfa; también conocido como CD11b (P170), polipéptido alfa de antígeno de macrófago) (ITGAM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007097	Clatrina, polipéptido ligero (Lcb) (CLTB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007099	Fosfatasa ácida 1, soluble (ACP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_007177	Proteína TU3A (TU3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007245	Proteína relacionada con ataxina 2 (A2LP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_006487	Fibulina 1 (FBLN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito A, ARNm
NM_006486	Fibulina 1 (FBLN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito D, ARNm
NM_006485	Fibulina 1 (FBLN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito B, ARNm
NM_006721	Adenosina cinasa (ADK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito ADK larga, ARNm
NM_006132	Proteína morfogenética del hueso 1 (BMP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BMP 1-4, ARNm
NM_006131	Proteína morfogenética del hueso 1 (BMP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BMP 1-5, ARNm
NM_006130	Proteína morfogenética del hueso 1 (BMP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BMP 1-6, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006129	Proteína morfogenética del hueso 1 (BMP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BMP 1-3, ARNm
NM_006128	Proteína morfogenética del hueso 1 (BMP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BMP 1-2, ARNm
NM_002516	Antígeno ventral neurooncológico 2 (NOVA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007008	Reticulon 4 (RTN4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007046	Proteína localizada en interfase de microfibrilla de elastina (EMILIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007037	Tipo disintegrina a y metaloproteasa (tipo reprotisina) con motivo de trombospondina tipo 1, 8 (ADAMTS8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007038	Tipo disintegrina a y metaloproteasa (tipo reprotisina) con motivo de trombospondina tipo 1, 5 (agrecanasa-2) (ADAMTS5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006799	Proteasa, serina, 21 (testisina) (PRSS21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006814	Subunidad 1 de inhibidor de proteasoma (prosome, macropáina) (PI31) (PSMF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003466	Gen de caja emparejada 8 (PAX8) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito PAX8A, ARNm
NM_006790	Proteína de dominio de inmunoglobulina de titina (miotilina) (TTID) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006782	Tipo proteína de dedo de cinc 1 (ZFPL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006795	Que contiene dominio EH 1 (EHD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006588	Familia sulfotransferasa, citosólica, 1C, miembro 2 (SULT1C2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006694	Punto de interrupción de translocación de salto (JTB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006597	Proteína de choque térmico de 70 kD 8 (HSPA8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006708	Glioxalasa (GLO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006703	Motivo tipo nudix (resto ligado a nucleósido difosfato X) 3 (NUDT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000655	Selectina L (molécula de adhesión a linfocitos 1) (SELL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006488	Cetohexocinasa (fructocinasa) (KHK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_006297	Reparación de rayos X que complementa reparación defectuosa en células de hámster chino 1 (XRCC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006339	Grupo de alta movilidad 20B (HMG20B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006469	Proteína de unión a NS1 (NS1-BP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006340	Proteína asociada a BAI1 2 (BAIAP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 3, ARNm
NM_001353	Familia de aldo-ceto reductasa 1, miembro C1 (dihidrodiol deshidrogenasa 1; 20-alfa (3-alfa)-hidroxiesteroide deshidrogenasa) (AKR1C1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000202	Iduronato 2-sulfatasa (síndrome de Hunter) (IDS) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005890	Específica de detención de crecimiento 7 (GAS7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_006123	Iduronato 2-sulfatasa (síndrome de Hunter) (IDS) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_006053	Regulador inmune 1 de linfocitos T (TCIRG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005990	Serina/treonina cinasa 10 (STK10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006019	Regulador inmune 1 de linfocitos T (TCIRG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006041	Heparán sulfato (glucosamina) 3-O-sulfotransferasa 3B1 (HS3ST3B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006042	Heparán sulfato (glucosamina) 3-O-sulfotransferasa 3A1 (HS3ST3A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006043	Heparán sulfato (glucosamina) 3-O-sulfotransferasa 2 (HS3ST2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000557	Factor de diferenciación del crecimiento 5 (proteína morfogenética derivada de cartílago 1) (GDF5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005847	Familia de transportadores de solutos 23 (transportadores de bases nucleotídicas), miembro 2 (SLC23A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005751	Proteína de anclaje a A cinasa (PRKA) (yotiao) 9 (AKAP9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005691	Casete de unión a ATP, subfamilia C (CFTR/MRP), miembro 9 (ABCC9) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito SUR2A, ARNm
NM_005688	Casete de unión a ATP, subfamilia C (CFTR/MRP), miembro 5 (ABCC5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005730	Gen conservado amplificado en osteosarcoma (OS4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005562	Laminina, gamma 2 (niceína (100 kD), kalinina (105 kD), BM600 (100 kD), epidermólisis bullosa juntural de Herlitz) (LAMC2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_005534	Receptor de interferón gamma 2 (transductor de interferón gamma 1) (IFNGR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005682	Receptor acoplado a proteína G 56 (GPR56) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005666	Factor H tipo (complemento) 3 (HFL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005503	Miembro 2, familia A, de unión a proteína precursora beta amiloide (A4) (tipo X11) (APBA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005431	Reparación de rayos X que complementa reparación defectuosa en células de hámster chino 2 (XRCC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005465	Homólogo 3 de oncogén vírico de timoma murino v-akt (proteína cinasa B, gamma) (AKT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005446	Receptor purinérgico tipo P2X 1, receptor huérfano (P2RX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005336	Proteína de unión a lipoproteína de alta densidad (vigilina) (HDLBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005265	Gamma-glutamyltransferasa 1 (GGT1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_005243	Región de punto de rotura de sarcoma de Ewing 1 (EWSR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito EWS, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005236	Deficiencia reparadora de roedores con complementación cruzada con reparación de escisión, grupo de complementación 4 (ERCC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005075	Familia de transportadores de solutos 21 (transportador de aniones orgánicos), miembro 3 (SLC21A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005050	Casete de unión a ATP, subfamilia D (ALD), miembro 4 (ABCD4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_005006	Proteína Fe-S 1 de NADH deshidrogenasa (ubiquinona) (75 kD) (NADH-coenzima Q reductasa) (NDUFS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005135	Familia 12 transportadora de solutos (transportadores de potasio/cloruro), miembro 6 (SLC12A6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004968	Autoantígeno de células de islote 1 (69 kD) (ICA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_005114	Heparán sulfato (glucosamina) 3-O-sulfotransferasa 1 (HS3ST1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004958	Proteína 1 asociada a proteína de unión a FK506 12-rapamicina (FRAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001478	UDP-N-acetil-alfa-D-galactosamina:(N-acetilneuraminil)-galactosilglucosilceramida N-acetilgalactosaminiltransferasa (GalNAc-T) (GALGT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004031	Factor regulador de interferón 7 (IRF7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito d, ARNm
NM_004030	Factor regulador de interferón 7 (IRF7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito c, ARNm
NM_004029	Factor regulador de interferón 7 (IRF7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_004034	Anexina A7 (ANXA7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001156	Anexina A7 (ANXA7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004033	Anexina A6 (ANXA6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001155	Anexina A6 (ANXA6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004629	Anemia de Fanconi, grupo de complementación G (FANCG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004738	Proteína B y C asociada a VAMP (proteína de membrana asociada a vesícula) (VAPB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004774	Proteína de unión a PPAR (PPARBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004819	Simplekina; proteína de interacción con Huntingtina 1 (SPK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004169	Serina hidroximetiltransferasa 1 (soluble) (SHMT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004186	Dominio sema, dominio de inmunoglobulina (Ig), dominio básico corto, secretado, (semaforina) 3F (SEMA3F) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004730	Factor de terminación de la traducción eucariota 1 (ETF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004161	RAB1, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004762	Dominios de homología de pleckstrina, Sec7 y superenrollado 1 (citohesina 1) (PSCD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004253	Proteína activadora de fosfolipasa A2 (PLAA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004562	Enfermedad de Parkinson (autosómica recesiva, juvenil) 2, parkina (PARK2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004705	Proteína cinasa, inhibidor dependiente de ARN bicatenario inducible por interferón, represor de (represor P58) (PRKRIR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004883	Neuregulina 2 (NRG2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004559	Proteína de unión a elemento sensible a nucleasa 1 (NSEP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004646	Nefrosis 1, congénita, tipo Finnish (nefrina) (NPHS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004897	Inositol polifosfato fosfatasa 1 múltiple (MINPP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004527	Caja homeótica de mesénquima 1 (MEOX1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004912	Malformaciones cavernosas cerebrales 1 (CCM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001572	Factor regulador de interferón 7 (IRF7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_004516	Factor de unión a potenciador de interleucina 3, 90 kD (ILF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004505	Proteasa específica de ubiquitina 6 (oncogén Tre-2) (USP6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004761	RAB2, miembro tipo familia oncogénica RAS (RAB2L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004495	Neuregulina 1 (NRG1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito HRG-gamma, ARNm
NM_004821	Derivado de cresta neural y corazón expresados 1 (HAND1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004458	Ácido graso-coenzima A ligasa, cadena larga 4 (FACL4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004091	Factor de transcripción de E2F 2 (E2F2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004714	Cinasa regulada por fosforilación de tirosina (Y) de especificidad dual 1B (DYRK1B) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_004859	Clatrina, polipéptido pesado (Hc) (CLTC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004921	Canal de cloruro, activado por calcio, miembro de familia 3 (CLCA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004344	Centrina, proteína de mano EF 2 (CETN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004332	Tipo bifenil hidrolasa (serina hidrolasa; antígeno asociado a mucina epitelial de mama) (BPHL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004842	Proteína de anclaje a A cinasa (PRKA) 7 (AKAP7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004194	Dominio de disintegrina a y metaloproteínasa 22 (ADAM22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004300	Fosfatasa ácida 1, soluble (ACP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_004769	Canal catiónico sensible a amilorida 3, testículo (ACCN3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004027	Inositol polifosfato-4-fosfatasa, tipo I, 107 kD (INPP4A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_004003	Carnitina acetiltransferasa (CRAT) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito peroxisómica, ARNm
NM_004028	Acuaporina 4 (AQP4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_001650	Acuaporina 4 (AQP4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_002390	Dominio de disintegrina a y metaloproteínasa 11 (ADAM11) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001604	Gen de caja emparejada 6 (aniridia, queratitis) (PAX6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003995	Receptor de péptido natriurético B/guanilato ciclasa B (receptor de péptido atrionatriurético B) (NPR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003994	Ligando de KIT (KITLG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001063	Transferrina (TF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003990	Gen de caja emparejada 2 (PAX2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito e, ARNm
NM_003989	Gen de caja emparejada 2 (PAX2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito d, ARNm
NM_003988	Gen de caja emparejada 2 (PAX2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito c, ARNm
NM_003987	Gen de caja emparejada 2 (PAX2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_000278	Gen de caja emparejada 2 (PAX2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_000221	Cetohexocinasa (fructocinasa) (KHK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_000115	Receptor de endotelina tipo B (EDNRB) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000755	Carnitina acetiltransferasa (CRAT) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito mitocondrial, ARNm
NM_001292	Cinasa tipo CDC 3 (CLK3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito phclk3/152, ARNm
NM_001291	Cinasa tipo CDC 2 (CLK2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito phclk2/139, ARNm
NM_001282	Complejo proteico relacionado con adaptador 2, subunidad beta 1 (AP2B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001272	Proteína de unión a ADN de helicasa de cromodominio 3 (CHD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001268	Tipo condensación del cromosoma 1 (CHC1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000734	Antígeno CD3Z, polipéptido zeta (complejo TiT3) (CD3Z) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000657	CLL de linfocitos B/linfoma 2 (BCL2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito beta, ARNm
NM_000633	CLL de linfocitos B/linfoma 2 (BCL2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito alfa, ARNm
NM_000055	Butirilcolinesterasa (BCHE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003594	Factor de terminación de la transcripción, ARN polimerasa II (TTF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003722	Proteína tumoral de 63 kDa con fuerte homología con p53 (TP63) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003856	Tipo receptor interleucina 1 1 (IL1RL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003140	Región determinante del sexo Y (SRY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003615	Familia de transportadores de solutos 4, cotransportador de bicarbonato sódico, miembro 7 (SLC4A7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003759	Familia de transportadores de solutos 4, cotransportador de bicarbonato sódico, miembro 4 (SLC4A4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002980	Receptor de secretina (SCTR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002890	Activador de proteína RAS p21 (proteína activadora de GTPasa) 1 (RASA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_003624	Proteína de unión a RAN 3 (RANBP3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito RANBP3-a, ARNm
NM_002817	Subunidad 26S de proteasoma (prosome, macropaina), no ATPasa, 13 (PSMD13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000447	Presenilina 2 (enfermedad de Alzheimer 4) (PSEN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000021	Presenilina 1 (enfermedad de Alzheimer 3) (PSEN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito I-467, ARNm
NM_002768	Procolágeno (tipo III) N-endopeptidasa (PCOLN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002752	Proteína cinasa activada por mitógeno 9 (MAPK9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002656	Tipo gen de adenoma peliomórfico 1 (PLAGL1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_002635	Familia de transportadores de solutos 25 (transportador mitocondrial; transportador de fosfato), miembro 3 (SLC25A3) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito 1b, ARNm
NM_002584	Gen de caja emparejada 7 (PAX7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_000280	Gen de caja emparejada 6 (aniridia, queratitis) (PAX6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002555	Familia de transportadores de solutos 22 (transportador de cationes orgánicos), tipo miembro 1 (SLC22A1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000907	Receptor de péptido natriurético B/guanilato ciclasa B (receptor de péptido atrionatriurético B) (NPR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002515	Antígeno ventral neurooncológico 1 (NOVA1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_003204	Factor nuclear tipo (derivado de eritroide 2) 1 (NFE2L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003970	Miomesina (proteína M) 2 (165 kD) (MYOM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000899	Ligando de KIT (KITLG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002394	Familia de transportadores de solutos 3 (activadores de transporte de aminoácidos dibásicos y neutros), miembro 2 (SLC3A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001879	Lectina serina proteasa de unión a manano 1 (componente activador de C4/C2 de factor sensible a Ra) (MASP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002353	Transductor de señal de calcio asociada a tumor 2 (TACSTD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002341	Linfotoxina beta (superfamilia TNF, miembro 3) (LTB) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_002294	Proteína de membrana asociada a lisosoma 2 (LAMP2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito LAMP2A, ARNm
NM_002264	Karioferina alfa 1 (importina alfa 5) (KPNA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002261	Subfamilia de receptor tipo lectina de células citolíticas C, miembro 3 (KLRC3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito NKG2-E, ARNm
NM_002230	Plakoglobina de punto de unión (JUP) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001566	Inositol polifosfato-4-fosfatasa, tipo I, 107 kD (INPP4A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito b, ARNm
NM_002164	Indolamina-pirrol 2,3 dioxigenasa (INDO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003822	Subfamilia de receptor nuclear 5, grupo A, miembro 2 (NR5A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000836	Receptor de glutamato, inotrópico, N-metil D-aspartato 2D (GRIN2D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000828	Receptor de glutamato, inotrópico, AMPA 3 (GRIA3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito flop, ARNm
NM_002056	Glutamina-fructosa-6-fosfato transaminasa 1 (GFPT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000161	GTP ciclohidrolasa 1 (disonía sensible a dopa) (GCH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000159	Glutaril-coenzima A deshidrogenasa (GCDH), proteína mitocondrial que codifica gen nuclear, variante de transcrito 1, ARNm
NM_003644	Específica de detención del crecimiento 7 (GAS7) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm
NM_000817	Glutamato descarboxilasa 1 (cerebro, 67 kD) (GAD1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito GAD67, ARNm
NM_000813	Receptor de ácido gamma-aminobutírico (GABA) A, beta 2 (GABRB2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000146	Ferritina, polipéptido ligero (FTL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001996	Fibulina 1 (FBLN1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito C, ARNm
NM_001995	Ácido graso-coenzima A ligasa, cadena larga 1 (FACL1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_001973	ELK4, proteína de dominio ETS (proteína accesoria de SRF 1) (ELK4) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito a, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003991	Receptor de endotelina tipo B (EDNRB) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001925	Defensina, alfa 4, corticostatina (DEFA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001359	2,4-Dienoil CoA reductasa 1, mitocondrial (DECR1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_001337	Receptor de quimiocina (C-X3-C) 1 (CX3CR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001835	Clatrina, tipo polipéptido pesado 1 (CLTCL1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001834	Clatrina, polipéptido ligero (Leb) (CLTB) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito no de cerebro, ARNm
NM_003992	Cinasa tipo CDC 3 (CLK3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito phclk3, ARNm
NM_003993	Cinasa tipo CDC2 (CLK2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito phclk2, ARNm
NM_001286	Canal de cloruro 6 (CLCN6) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito CLC-6a, ARNm
NM_001285	Canal de cloruro, activado por calcio, miembro de familia 1 (CLCA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001825	Creatina cinasa, mitocondrial 2 (sarcomérica) (CKMT2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_003465	Quitinasa 1 (quitotriosidasa) (CHIT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001783	Antígeno CD79A (alfa asociado a inmunoglobulina) (CD79A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001199	Proteína morfogenética del hueso 1 (BMP1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito BMP1-1, ARNm
NM_001669	Arlsulfatasa D (ARSD) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001170	Acuaporina 7 (AQP7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001160	Factor activador de proteasa apoptótica (APAF1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001149	Anquirina 3, nódulo de Ranvier (anquirina G) (ANK3) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_001625	Adenilato cinasa 2 (AK2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, variante de transcrito AK2A, ARNm
NM_001135	Agregano 1 (proteoglucano de condroitín sulfato 1, proteoglucano de agregación grande, antígeno identificado por anticuerpo monoclonal A0122) (AGC1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_001123	Adenosina cinasa (ADK) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito ADK-corto, ARNm
NM_003812	Dominio de disintegrina a y metaloproteínasa 23 (ADAM23) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM.001095	Canal de catión sensible a milorida 2, neuronal (ACCN2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_016184	Lectina tipo C (dominio de reconocimiento de hidratos de carbono dependiente de calcio), miembro de superfamilia 6 (CLECSF6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003186	Transgelina (TAGLN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004084	Defensina, alfa 1, secuencia relacionada con mieloide (DEFA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022908	Proteína FLJ12442 hipotética (FLJ12442) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022906	Proteína FLJ3195 hipotética similar a antígeno de estroma 3 (FLJ13195) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022903	Proteína FLJ12800 hipotética (FLJ12800) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022902	Proteína FLJ12496 hipotética (FLJ12496) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022900	Proteína FLJ21213 hipotética (FLJ21213) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022895	Proteína FLJ12448 hipotética (FLJ12448) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006997	Proteína que contiene superenrollamiento ácido transformante 2 (TACC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020979	Proteína adaptadora con dominios de homología de pleckstrina y homología de src 2 (APS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018557	Proteína relacionada con lipoproteína de baja densidad 1B (suprimida en tumores) (LRP1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014921	Lectomedina-2 (KIAA0821) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014112	Gen de síndrome tricorniofalángico I (TRPS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000539	Rodopsina (opsina 2, pigmento rojo) (retinitis pigmentosa 4, autosómica dominante) (RHO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012452	Activador transmembrana e interactor con CAML (TACI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003564	Transgelina 2 (TAGLN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003632	Proteína asociada a contactina 1 (CNTNAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006506	Activador de proteína RAS p21 2 (RASA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014427	Copina VII (CPNE7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006032	Copina VI (neuronal) (CPNE6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005338	Proteína que interacciona con huntingtina 1 (HIP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021973	Derivados de cresta neural y corazón expresados 2 (HAND2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005339	Proteína que interacciona con huntingtina 2 (HIP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021920	Secretina (SCT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016491	Proteína ribosómica mitocondrial L37 (MRPL37) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014211	Receptor de ácido gamma-aminobutírico (GABA) A, pi (GABRP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004658	Tipo activador de proteína RAS 1 (tipo GAP1) (RASAL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004807	Heparán sulfato 6-O-sulfotransferasa (HS6ST) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002622	Prefoldina 1 (PFDN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005186	Calpaína 1, subunidad grande (mu/l) (CAPN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001748	Calpaína 2, subunidad grande (m/II) (CAPN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014299	Que contiene bromodominio 4 (BRD4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007208	Proteína ribosómica mitocondrial L3 (MRPL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022838	Proteína FLJ12969 hipotética (FLJ12969) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022837	Proteína FLJ22833 hipotética (FLJ22833) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022830	Proteína FLJ22347 hipotética (FLJ22347) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022819	Fosfolipasa A2, grupo IIF (PLA2G2F) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020245	Proteína de superfamilia tubby (TUSP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020061	Opsina 1 (pigmentos de conos), sensible a onda larga (daltonismo, protano) (OPN1LW) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000513	Opsina 1 (pigmentos de conos), sensible a onda media (daltonismo, deutano) (OPN1MW) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001708	Opsina 1 (pigmentos de conos), sensible a onda corta (daltonismo, tritano) (OPN1SW) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016363	Glucoproteína VI (Plaquetas) (GP6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022139	Receptor de familia GDNF alfa 4 (GFRA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002485	Síndrome de Nijmegen 1 (nibrina) (NBS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006052	Gen 3 de región crítica de síndrome de Down (DSCR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005867	Gen 4 de región crítica de síndrome de Down (DSCR4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005087	Retraso mental frágil X, homólogo autosómico 1 (FXR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004403	Sordera, dominante autosómica 5 (DFNA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000433	Factor citosólico de neutrófilos 2 (65 kD, enfermedad granulomatosa crónica, autosómica 2) (NCF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000111	Familia de transportadores de solutos 26, miembro 3 (SLC26A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000044	Receptor de andrógenos (receptor de dihidrotestosterona; feminización testicular; testicular; atrofia muscular medular y vulvar; enfermedad de Kennedy) (AR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000333	Ataxia espinocerebelar 7 (atrofia olivopontocerebelar con degeneración retinal) (SCA7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003776	Señal de localización nuclear suprimida en síndrome velocardiofacial (NLVCF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003941	Tipo síndrome de Wiskott-Aldrich (WASL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020680	Tipo cinasa del extremo N (NTKL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022789	Interleucina 17E (IL17E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_022787	NMN adenililtransferasa; nicotinamida mononucleótido adenilil transferasa (NMNAT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022786	Ortólogo probable de ARV1 de levadura (ARV1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022785	Proteína FLJ23588 hipotética (FLJ23588) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022775	Proteína FLJ22127 hipotética (FLJ22127) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022773	Proteína FLJ12681 hipotética (FLJ12681) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022772	Proteína FLJ21935 hipotética (FLJ21935) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022761	Proteína FLJ23499 hipotética (FLJ23499) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022756	Proteína FLJ11730 hipotética (FLJ11730) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022739	Ligasa de ubiquitina E3 SMURF2 (SMURF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022725	Anemia de Fanconi, grupo de complementación F (FANCF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017646	ARNt isopentenilpirofosfato transferasa (IPT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005443	3'-Fosfoadenosin 5'-fosfosulfatosintasa 1 (PAPSS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004670	3'-Fosfoadenosin 5'-fosfosulfatosintasa 2 (PAPSS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001084	Procolágeno-lisina, 2-oxoglutarato 5-dioxigenasa 3 (PLOD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022720	Gen de región crítica de síndrome de DiGeorge 8 (DGCR8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007331	Candidato de síndrome de Wolf-Hirschhorn 1 (WHSC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007123	Síndrome de Usher 2A (autosómico recesivo, leve) (USH2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000553	Síndrome de Werner (WRN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006531	Sonda hTg737 (enfermedad de riñón poliquístico, autosómica recesiva, en) (TG737) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018962	Gen 6 de región crítica de síndrome de Down (DSCR6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018848	Síndrome de McKusick-Kaufman (MKKS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017424	Región cromosómica de síndrome de ojos de gato, candidato 1 (CECR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015889	Gen inducible por TPA 1 (TIG-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016430	Gen 5 de región crítica de síndrome de Down (DSCR5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004414	Gen 1 de región crítica de síndrome de Down (DSCR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013441	Tipo gen 1 de región crítica de síndrome de Down 2 (DSCR1L2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012436	Antígeno asociado con esperma 8 (SPAG8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012227	Tipo proteína de unión a GTP pseudoautosómica (PGPL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007173	Proteasa, serina, 23 (SPUVE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000501	Elastina (estenosis aórtica supravalvular, síndrome de Williams-Beuren) (ELN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006025	Proteasa, serina, 22 (P11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005609	Fosforilasa, glucógeno; músculo (síndrome de McArdle, enfermedad de almacenamiento de glucógeno tipo V) (PYGM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004991	Síndrome mielodisplásico 1 (MDS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004600	Antígeno de síndrome de Sjögren A2 (60 kD, autoantígeno ribonucleoproteico SS-A/Ro) (SSA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004380	Proteína de unión a CREB (síndrome de Rubinstein-Taybi) (CREBBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000551	Síndrome de von Hippel-Lindau (VHL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000462	Ubiquitina proteína ligasa E3A (proteína asociada a E6 del virus de papiloma humano, síndrome de Angelman) (UBE3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001064	Transquetolasa (síndrome de Wernicke-Korsakoff) (TKT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000356	Síndrome de Treacher Collins-Franceschetti 1 (TCOF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000455	Serina/treonina cinasa 11 (síndrome de Peutz-Jeghers) (STK11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002351	Proteína de dominio SH2 1A, enfermedad de Duncan (síndrome linfoproliferativo) (SH2D1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000336	Canal de sodio, no abierto por tensión 1, beta (síndrome de Liddle) (SCNN1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000335	Canal de sodio, abierto por tensión, tipo V, polipéptido alfa (síndrome de QT (electrocardiográfico) largo 3) (SCN5A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000318	Proteína de membrana peroxisómica 3 (35 kD, síndrome de Zellweger) (PXMP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000311	Proteína priónica (P27-30) (enfermedad de Creutzfeld-Jakob, síndrome de Gerstmann-Strausler-Scheinker, insomnio familiar letal) (PRNP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000299	Plakofilina1 (displasia ectodérmica/síndrome de fragilidad cutánea) (PKP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000283	Fosfodiesterasa 6B, específica de GMPc, bastoncillo, beta (ceguera nocturna estacionaria congénita 3, autosómica dominante) (PDE6B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003731	Autoantígeno nuclear de síndrome de Sjögren 1 (SSNA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000260	Miosina VIIA (síndrome de Usher 1B (autosómico recesivo, grave)) (MYO7A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003720	Gen 2 de región crítica de síndrome de Down (DSCR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000195	Síndrome de Hermansky-Pudlak (HPS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000194	Hipoxantina fosforribosiltransferasa 1 (síndrome de Lesch-Nyhan) (HPRT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000171	Receptor de glicina, alfa 1 (enfermedad del sobresalto/hiperekplexia, síndrome de la persona rígida) (GLRA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003494	Disferlina, distrofia muscular de cintura 2B (autosómica recesiva) (DYSF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000081	Síndrome de Chediak-Higashi 1 (CHS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000052	ATPasa, transporte de Cu ⁺⁺ , polipéptido alfa (síndrome de Menkes) (ATP7A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001635	Ampifisina (autoantígeno de 128 kD de síndrome de persona rígida con cáncer de mama) (AMPH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022663	Proteína CTAGE-1 (CTAGE-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022662	Regulador de punto de control meiótico (MCPR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022658	Caja homeótica C8 (HOXC8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000569	Fragmento Fc de IgG, baja afinidad IIIa, receptor por (CD16) (FCGR3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000802	Receptor de folato 1 (adulto) (FOLR1) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_006991	Proteína de dedo de cinc 197 (ZNF197) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018946	Ácido N-acetilneuramínico fosfato sintasa; ácido siálico sintasa (SAS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003979	Inducida por ácido retinoico 3 (RAI3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021785	Inducida por ácido retinoico 2 (RAI2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001436	Fibrilarina (FBL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012151	Asociado a factor de coagulación VIII (transcrito intrónico) (F8A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007170	Cinasa específica de testículo 2 (TESK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006285	Cinasa específica de testículo 1 (TESK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016424	Proteína expresada en exceso asociada a resistencia a cisplatino (LUC7A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012152	Diferenciación endotelial, receptor acoplado a proteína G de ácido lisofosfatídico 7 (EDG7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007360	Segmento de ADN en secuencia expresada 2489 del cromosoma 12 (única) (D12S2489E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004924	Actinina, alfa 4 (ACTN4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001102	Actinina, alfa 1 (ACTN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012128	Canal de cloruro, activado por calcio, miembro de la familia 4 (CLCA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014551	Proteína hipotética 384D8_6 (384D8-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018977	Neuroligina 3 (NLGN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001103	Actinina, alfa 2 (ACTN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_022569	N-desacetilasa/N-sulfotransferasa 4 (NDST4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005892	Tipo formina (FMNL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016370	Proteína tipo RAB9 (RAB9L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012135	Segmento de ADN en secuencia expresada 2654 del cromosoma 6 (única) (D6S2654E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007161	Segmento de ADN en secuencia expresada 49 del cromosoma 6 (única), receptor desencadenante de células NK, p30 (D6S49E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006114	Segmento de ADN en secuencia expresada 1177 del cromosoma 19 (única) (D19S1177E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006014	Segmento de ADN en secuencia expresada 9879 del cromosoma X (única) (DXS9879E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004699	Segmento de ADN en secuencia expresada 9928 del cromosoma X (única) (DXS9928E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003683	Segmento de ADN en secuencia expresada 2056 del cromosoma 21 (única) (D21S2056E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015484	Proteína que interacciona con GCIP p29 (P29) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013263	Que contiene bromodominio 7 (BRD7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022157	Proteína Rag C (GTR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014604	Proteína de interacción con Tax 1 (TIP-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001915	Citocromo b-561 (CYB561) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012188	Caja forkhead I1 (FOX11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016148	Proteína que interacciona con receptor de somatostatina (SSTRIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022482	Proteína FLJ21794 hipotética (FLJ21794) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022493	Proteína FLJ21988 hipotética (FLJ21988) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022489	Proteína FLJ22056 hipotética (FLJ22056) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022485	Proteína FLJ22405 hipotética (FLJ22405) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022464	Chaperona de retículo endoplásmico SIL1, homólogo de levadura (SIL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022456	Proteína FLJ22548 hipotética similar a trampa génica PAT 12 (FLJ22548) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022450	Proteína FLJ22357 hipotética similar a proteína relacionada con receptor de factor de crecimiento epidérmico (FLJ22357) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022443	Factor de leucemia mieloide 1 (MLF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022136	Dominio SAM, dominio SH3 y señales de localización nuclear, 1 (SAMS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012217	Triptasa de mastocitos (TPSD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_020366	Proteína 1 de interacción con el regulador de la GTPasa de retinitis pigmentosa (RPGRIP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016541	Proteína 13 de unión a nucleótidos de guanina 13, gamma (GCG13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004204	Fosfatidilinositol glucano, clase Q (PIGQ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014946	Paraplejía espástica 4 (dominante autosómico; espastina) (SPG4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022146	Neuropéptido FF 1; receptor del péptido relacionado con RFamida (OT7T022) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004885	Receptor acoplado a proteína G del neuropéptido; neuropéptido FF2 (NPGPR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002958	Tirosina cinasa tipo receptor RYK (RYK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002931	Proteína del dedo anular 1 (RING1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021111	Proteína rica en cisteína de inducción de inversión con motivos kazal (RECK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001655	Arcaína 1 (ARCN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016639	Proteína transmembrana tipo I Fn14 (FN14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006686	Tipo actina 7B (ACTL7B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006687	Tipo actina 7A (ACTL7A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005856	Proteína modificadora de la actividad del receptor (calcitonina) 3 (RAMP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005854	Proteína modificadora de la actividad del receptor (calcitonina) 2 (RAMP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005855	Proteína modificadora de la actividad del receptor (calcitonina) 1 (RAMP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000475	Subfamilia de receptor nuclear 0, grupo B, miembro 1 (NR0B1) de <i>Homo sapiens</i> ; ARNm
NM_005493	Proteína de unión a RAN 9 (RANBP9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004634	Que contiene bromodominio y dedo de PHD, 1, (BRPF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000140	Ferroquelatasa (protoporfiria) (FECH) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_000031	Aminolevulinato, delta, deshidratasa (ALAD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000027	Aspartilglucosaminidasa (AGA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000026	Adenilosuccinato liasa (ADSL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000025	Receptor beta-3 adrenérgico (ADRB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000020	Tipo receptor de activina A tipo II 1 (ACVRL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000019	Acetil-Coenzima A acetiltransferasa 1 (acetoacetil-Coenzima A tiolasa) (ACAT1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000018	Acil-Coenzima A deshidrogenasa, cadena muy larga, (ACADVL) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_000017	Acil-Coenzima A deshidrogenasa, cadena corta de C-2 a C-3 (ACADS) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_000016	Acil-Coenzima A deshidrogenasa, cadena lineal de C-4 a C-12 (ACADM) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_000476	Adenilato cinasa 1 (AK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001830	Canal de cloruro 4 (CLCN4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022365	Proteína hipotética similar a Dnaj11 de ratón (ADNJL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022350	Aminopeptidasa (LOC64167) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022335	Proteína PRO2849 hipotética (PRO2849) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005259	Factor de diferenciación del crecimiento 8 (GDF8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001789	Ciclo de división celular 25A (CDC25A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022006	Regulador del transporte iónico que contiene dominio FXYD 7 (FXYD7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022003	Regulador del transporte iónico que contiene dominio FXYD 6 (FXYD6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020655	Juntofilina 3 (JPH3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002855	Receptor del virus de la poliomielitis relacionado con 1 (mediador C de la entrada del virus del herpes; nectina) (PVRL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012340	Factor nuclear de linfocitos T activados, citoplásmico, dependiente de calcineurina 2 (NFATC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006599	Factor nuclear de linfocitos T activados 5, sensible a tonicidad (NFAT5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006162	Factor nuclear de linfocitos T activados, citoplásmico, dependiente de calcineurina 1 (NFATC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022061	Isólogo de proteína ribosómica L17 (LOC63875) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022095	Proteína hipotética de dedo de cinc C2H2 FLJ22504 (FLJ22504) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022091	Proteína dJ467N11.1 (DJ467N11.1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022084	Proteína dJ102H19.4 hipotética (DJ102H19.4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022077	Proteína dJ1141E15.2 hipotética (DJ1141E15.2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022098	Proteína LOC63929 hipotética (LOC63929) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022081	Proteína bK1048E9.5 hipotética (BK1048E9.5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021081	Hormona liberadora de hormona de crecimiento (GHRH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022168	Proteína asociada a diferenciación de melanoma 5 (MDA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022165	Proteína Lin-7b (LIN-7B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_022161	Inhibidor livin de apoptosis (LIVIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022159	Proteína ETL (ETL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022156	Proteína PP3111 (PP3111) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022151	Proteína MAP-1 (MAP-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022150	Precursor de péptido relacionado con RFamida (RFRP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022149	Proteína MAGEF1 (MAGEF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022144	Proteína miomodulina (LOC64102) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022141	Gamma parvina (PARVG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022134	Glucoproteína beta-Gal 3'-sulfotransferasa (GP3ST) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022131	Calsinténina-2 (CS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022129	Proteína de unión a MAWD (MAWBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022123	Proteína básica-hélice-bucle-hélice-PAS (NPAS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022121	Proteína inducida por p53 PIGPC1 (PIGPC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022120	Proteína FKSG25 hipotética (FLJ00030) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022114	Que contiene dominio PR 16 (PRDM16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022112	Proteína inductora de apoptosis regulada por p53 1 (P53AIP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022111	Homólogo de claspina de <i>Xenopus</i> (CLASPIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022101	Proteína FLJ22965 hipotética (FLJ22965) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022087	Proteína FLJ21634 hipotética (FLJ21634) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022083	Proteína niban (NIBAN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022078	Proteína FLJ12455 hipotética (FLJ12455) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022076	Proteína IMAGE hipotética (LOC63904) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022072	Proteína FLJ22609 hipotética (FLJ22609) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022067	Proteína FLJ12707 hipotética (FLJ12707) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022049	Receptor acoplado a proteína G 88 (GPR88) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022044	Tipo factor derivado de célula estromal 2 1 (SDF2L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022042	Familia de transportador de solutos 26 (transportador de sulfato), miembro 1 (SLC26A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_022039	Malformación de manos/pies divididos (ectrodactilia) tipo 3 (SHFM3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021173	Polimerasa (dirigida a ADN), delta 4 (POLD4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016371	Hidroxiesteroide (17-beta) deshidrogenasa 7 (HSD17B7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000023	Sarcoglucano, alfa (glucoproteína asociada a distrofina de 50 kD) (SGCA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005099	Tipo disintegrina a y metaloproteasa (tipo reprotisina) con motivo trombospondina tipo 1, 4 (ADAMTS4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016590	Transcrito prostático regulado por andrógenos 1 (PART1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014223	Factor de transcripción nuclear Y, gamma (NFYC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006166	Factor de transcripción nuclear Y, beta (NFYB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002268	Cariofenina alfa 4 (importina alfa 3) (KPNA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005229	ELK1, miembro de familia de oncogenes ETS (ELK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021796	Específico de placenta 1 (PLAC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015596	Calicreína 13 (KLK13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003553	Receptor olfatorio, familia 1, subfamilia E, miembro 1 (OR1E1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021926	Caja homeótica tipo aristaless 4 (ALX4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021957	Glucógeno sintasa 2 (hígado) (GYS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020980	Acuaporina 9 (AQP9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001614	Actina, gamma 1, (ACTG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018690	Receptor de apolipoproteína B48 (APOB48R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005230	ELK3, proteína de dominio ETS (proteína accesoria de SRF 2) (ELK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003816	Dominio de disintegrina a y metaloproteína 9 (meltrina gamma) (ADAM9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000847	Glutación-S-transferasa A3 (GSTA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021814	Homólogo de enzima de elongación de ácidos grasos poliinsaturados de cadena larga de levadura 2 (HELO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021628	Araquidonato lipoxigenasa 3 (ALOXE3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012419	Regulador de señalización de proteína G 17 (RGS17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014685	Miembro de dominio tipo ubiquitina inducible por estrés en retículo endoplásmico inducible por homocisteína 1 (HERPUDI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005705	Expresión pan-hematopoyética (PHEMX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004906	Proteína asociada a tumor de Wilms 1 (KIAA0105) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003101	Esterol-O-aciltransferasa (acil-Coenzima A colesterol aciltransferasa) 1 (SOAT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021965	Fosfoglucomutasa 5 (PGM5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003555	Receptor olfatorio, familia 1, subfamilia G, miembro 1 (OR1G1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003552	Receptor olfatorio, familia 1, subfamilia D, miembro 4 (OR1G4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001345	Diacilglicerolcinasasa alfa (80 kD) (DGKA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021620	Que contiene dominio PR 13 (PRDM13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020999	Neurogenina 3 (NEUROG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020227	Que contiene el dominio PR 9 (PRDM9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020226	Que contiene el dominio PR 8 (PRDM8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020229	Que contiene el dominio PR 11 (PRDM11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020228	Que contiene el dominio PR 10 (PRDM10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016412	Factor de crecimiento tipo insulina 2, antisentido (IGF2AS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006161	Neurogenina 1 (NEUROG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005734	Proteína cinasa que interacciona con homeodominio 3 (HIPK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001818	Familia 1 de aldo-ceto reductasa, miembro C4 (clordecona reductasa, 3-alfa-hidroxiesteroide deshidrogenasa, tipo 1; dihidrodiol deshidrogenasa 4) (AKR1C4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004363	Molécula de adhesión celular relacionada con antígeno carcinoembrionario (CEACAM5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002841	Fosfatasa tirosina, tipo receptor, G (PTPRG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002716	Proteína fosfatasa 2 (anteriormente 2A), subunidad reguladora A (PR65), isoforma beta (PPP2R1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001785	Citidina desaminasa (CDA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003554	Receptor olfatorio, familia 1, subfamilia E, miembro 2 (OR1E2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021961	Miembro 1 de la familia del dominio TEA (factor potenciador de la transcripción de SV40) (TEAD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002847	Proteína tirosina, fosfatasa, tipo receptor, N polipéptido 2 (PTPRN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002778	Prosaposina (enfermedad de Gaucher variante y leucodistrofia metacromática variante) (PSAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000934	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado F (antiplasmina alfa-2, factor derivado de epitelio pigmentario), miembro 2 (SERPINF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000932	Fosfolipasa C, beta 3, (específica de fosfatidilinositol) (PLCB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000709	Cetoácido deshidrogenasa de cadena ramificada E1, polipéptido alfa (enfermedad de la orina con olor a jarabe de arce), (BCKDHA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001666	Proteína activadora de Rho GTPasa 4 (ARHGAP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021815	Familia del transportador de solutos 5 (transportador de colina), miembro 7, (SLC5A7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014885	Complejo promotor de anafase 10 (APC10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM 021948	Proteoglucano de condroitín sulfato BEHAB/brevicano (BCAN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021946	Proteína FLJ11362 hipotética (FLJ11362) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021942	Proteína FLJ2716 hipotética (FLJ12716) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021940	Proteína FLJ13159 hipotética (FLJ13159) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021922	Anemia de Fanconi, grupo de complementación E (FANCE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002644	Receptor de inmunoglobulina polimérica (PIGR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002470	Miosina, polipéptido pesado 3, músculo esquelético, embrionaria (MYH3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001700	Azurocidina 1 (proteína antimicrobiana catiónica 37) (AZU1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003949	Proteína asociada a huntingtina 1 (neuroan 1) (HAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021021	Sintrofina, beta 1 (proteína asociada a distrofina A1, 59 kD, componente básico 1) (SNTB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018953	Caja homeótica C5 (HOXC5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012120	Proteína asociada a CD2 (CD2AP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007121	Subfamilia de receptor nuclear 1, grupo H, miembro 2 (NR1H2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006753	Surfeit 6 (SURF6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006200	Proproteína convertasa subtilisina/quexina tipo 5 (PCSK5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006426	Tipo dihidropirimidinas 4 (DPYSL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005670	Epilepsia, mioclonos progresivos tipo 2, enfermedad de Lafora (laforina) (EPM2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006877	Guanosina monofosfato reductasa (GMPR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004619	Factor asociado a receptor de TNF 5 (TRAF5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002627	Fosfofructocinasa, plaqueta (PFKP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002433	Glucoproteína de oligodendrocito de mielina (MOG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002207	Integrina, alfa 9 (ITGA9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002113	Tipo factor H (complemento) 1 (HFL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002074	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), polipéptido beta 1 (GNB1) de <i>Homo sapiens</i> , de ARNm
NM_003733	Tipo 2'-5'oligoadenilato sintetasa (OASL) de <i>Homo sapiens</i> , de ARNm
NM_002551	Receptor olfatorio, familia 3, subfamilia A, miembro 2 (OR3A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002389	Proteína de cofactor de membrana (CD46, antígeno de reacción cruzada de trofoblastos-linfocitos) (MCP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000870	Receptor de 5-hidroxitriptamina (serotonina) 4 (HTR4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000613	Hemopexina (HPX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000377	Síndrome de Wiskott-Aldrich (eccema-trombocitopenia) (WAS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006981	Subfamilia de receptor nuclear 4, grupo A, miembro 3 (NR4A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000368	Gen TSC1 (hamartina) (TSC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017416	Tipo proteína accesoria de receptor de interleucina 1 2 (IL1RAPL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003286	Topoisomerasa (ADN) I (TOP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001068	Topoisomerasa (ADN) II beta (180 kD) (TOP2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020470	Proteína transmembrana putativa, homólogo de proteína de membrana de Golgi de levadura Yif1p (factor de interacción con Yif1p) (54TM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006562	Factor de transcripción similar a proteína de homeodominio de <i>D. melanogaster</i> lady bird late (LBX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017545	Hidroxiácido oxidasa (glucolato oxidasa) 1 (HAO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002925	Regulador de señalización de proteína G 10 (RGS10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012263	Tipo tubulina tirosina cinasa 1 (TTLL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001212	Componente de complemento 1, proteína de unión al subcomponente q (C1QBP) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_000491	Componente de complemento 1, subcomponente q, polipéptido beta (C1QBP) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_004720	Diferenciación endotelial, receptor acoplado a proteína G de ácido lisofosfatídico, 4 (EDG4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006217	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado I (neuroserpina), miembro 2 (SERPINI2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018723	Proteína 1 de unión a ataxina 2 (A2BP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004543	Nebulina (NEB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016151	Cinasa tipo SET20 derivada de próstata (PSK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016528	Hidroxiácido oxidasa 3 (cadena media) (HAO3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000185	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clase D (cofactor de heparina), miembro 1 (SERPIND1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005410	Selenoproteína P, plasma, 1 (SEPP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005226	Diferenciación endotelial, receptor acoplado a proteína G de esfingolípido, 3 (EDG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005172	Homólogo atonal 1 (<i>Drosophila</i>) (ATOH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005109	Sensible a estrés oxidativo 1 (OSR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001498	Glutamato-cisteína ligasa, subunidad catalítica (GCLC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003922	Dominio hect (homologo al extremo carboxilo de E6-AP (UBE3A)) y dominio tipo RCC1 (CHC1) (RLD) 1 (HERC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002061	Glutamato-cisteína ligasa, subunidad modificadora (GCLM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001088	Arlalquilamina-N-acetiltransferasa (AANAT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021828	Proteína tipo heparanasa (HPA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021826	Proteína hipotética FLJ13149 (FLJ13149) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021823	Proteína MDS018 hipotética (MDS018) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021820	Proteína MDS024 (MDS024) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021819	Proteína ERGL (ERGL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021818	Gen que contiene dominio WW (WW45) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021812	Blefarofimosis, epicanto inverso y ptosis, candidato 1 (BPESC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021809	Factor de transcripción inducido con TGF-(beta) 2 (TGIF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021805	Molécula sencilla relacionada con Ig IL-1R (SIGIRR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021803	Interleucina 21 (IL21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021798	Receptor 21 de interleucina (IL21R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020982	Claudina 9 (CLDN9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006657	Formiminotransferasa ciclodesaminasa (FTCD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021784	Factor nuclear de hepatocito 3, beta (HNF3B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014375	Fetuína B (FETUB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021032	Factor de crecimiento de fibroblasto 12 (FGF12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019595	Intersectina 2 (ITSN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018991	Proteína DKFZp434A0131 (DKFZP434A0131) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014574	Autoantígeno nuclear (GS2NA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021002	Interferón, alfa 6 (IFNA6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001676	ATPasa, transporte de H ⁺ /K ⁺ , no gástrico, polipéptido alfa (ATP12A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019886	Hidrato de carbono (N-acetilglucosamina 6-O) sulfotransferasa 7 (CHST7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017581	Receptor colinérgico, nicotínico, polipéptido alfa 9 (CHRNA9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001695	ATPasa, transporte de H ⁺ , lisosómica (bomba de protones vacuolar) 42 kD (ATP6C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006303	Gen JTV1 (JTV1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014413	Factor de iniciación regulado por hemo 2-alfa cinasa (HRI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_012149	Doble caja homeótica, 5 (DUX5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012146	Doble caja homeótica, 1 (DUX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021733	Sustrato de cinasa específico de testículo (TSKS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004339	Proteína de interacción con transformante de tumor pituitario 1 (PTTG1IP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004219	Transformante de tumor pituitario 1 (PTTG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003860	Proteína de región de grupo de Breakpoint, leiomioma uterino, 1; barrera para factor de autointegración (BCRP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007281	Proteína sensible a tembladera 1 (SCR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006618	Motivo putativo de unión a ADN/cromatina (PLU-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005797	Antígeno tipo epitelial V 1 (EVA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005508	Receptor de quimiocina (motivo C-C) 4 (CCR4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005283	Receptor de quimiocina (motivo C) XC 1 (CXCR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002547	Oligofrenina 1 (OPHN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020056	Complejo mayor de histocompatibilidad, clase II, DQ alfa 2 (HLA-DQA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001085	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado A (antiproteinasa alfa-1, antitripsina), miembro 3 (SERPINA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013974	Dimetilarginina dimetilaminohidrolasa 2 (DDAH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001756	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado A (antiproteinasa alfa-1, antitripsina), miembro 6 (SERPINA6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000450	Selectina E (molécula de adhesión celular 1) (SELE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006228	Prepronociceptina (PNOC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001319	Caseína cinasa 1, gamma 2, (CSNK1G2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000444	Gen regulador de fosfato con homologías con endopeptidasas en el cromosoma X (hipofosfatemia, raquitismo resistente a vitamina D) (PHEX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021183	Proteína hipotética similar a proteínas G pequeñas, especialmente RAP-2A (LOC57826) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021179	Proteína LOC57821 hipotética (LOC57821) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002744	Proteína cinasa C, zeta (PRKCZ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000624	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado A (antiproteinasa alfa-1, antitripsina), miembro 5 (SERPINA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000602	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado E (nexina, inhibidor del activador del plasminógeno tipo 1), miembro 1 (SERPINE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020422	Proteína hipotética del clon 24796 (LOC57146) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_020183	Factor de transcripción BMAL2 (LOC56938) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019598	Calicreína 12 (KLK12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019103	Proteína hipotética (LOC55954) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012397	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado B (ovoalbúmina), miembro 13 (SERPINB13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000527	Receptor de lipoproteína de baja densidad (hipercolesterolemia familiar) (LDLR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016200	Proteína tipo Sm asociada a ARNnc de U6 LSm8 (LOC51691) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014766	Producto génico de K1AA0193 (K1AA0193) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014309	Proteína con motivo de unión a ARN 9 (RBM9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014080	Dominios dobles tipo oxidasa 2 (DUOX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014516	Complejo de transcripción CCR4-NOT, subunidad 3 (CNOT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015032	Proteína K1AA0979 (K1AA0979) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014656	Producto génico de K1AA0040 (K1AA0040) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015383	Proteína hipotética (DJ328E19.C1.1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012407	Proteína cinasa C, proteína de unión a alfa (PRKCABP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002208	Integrina, alfa E (antígeno CD103, antígeno de linfocito de mucosa humana 1; polipéptido alfa) (ITGAE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002309	Factor inhibidor de leucemia (factor de diferenciación colinérgica) (LIF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006919	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado B (albúmina de huevo), miembro 3 (SERPINB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006220	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado A (antiproteinasa alfa-1, antitripsina), miembro 2 (SERPINA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006215	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado A (antiproteinasa alfa-1, antitripsina), miembro 4 (SERPINA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006021	Eliminado en leucemia linfocítica, 2 (DLEU2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005887	Eliminado en leucemia linfocítica, 1 (DLEU1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005603	ATPasa, clase I, tipo 8B, miembro 1 (ATP8B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005232	EphA1 (EPHA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005024	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado B (albúmina de huevo), miembro 10 (SERPINB10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004779	Complejo de transcripción CCR4-NOT, subunidad 8 (CNOT8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004155	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado B (albúmina de huevo), miembro 9 (SERPINB9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004568	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado B (albúmina de huevo), miembro 6 (SERPINB6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004408	Dinamina 1 (DNM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004409	Proteína cinasa de distrofia miotónica (DMPK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004717	Diacilglicerol cinasa, iota (DGKI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000214	Jagged 1 (síndrome de Alagille) (JAG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001347	Diacilglicerol cinasa, teta (110 kD) (DGKQ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003454	Proteína del dedo de cinc 200 (ZNF200) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003334	Enzima de activación de ubiquitina E1 (A1S9T y BN75, complementan la sensibilidad a la temperatura) (UBE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000354	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado A (antiproteinasa alfa-1, antitripsina), miembro 7 (SERPINA7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000945	Proteína fosfatasa 3 (anteriormente 2B), subunidad reguladora B (19 kD), isoforma alfa (calcineurina B, tipo I) (PPP3R1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000305	Paraoxonasa 2 (PON2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000928	Fosfolipasa A2, grupo IB (páncreas) (PLA2G1B) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_000295	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado A (antiproteinasa alfa-1, antitripsina), miembro 1 (SERPINA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002640	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado B (albúmina de huevo), miembro 8 (SERPINB8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002639	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado B (albúmina de huevo), miembro 5 (SERPINB5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002615	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado F (antiplasmina alfa-2, factor derivado de epitelio pigmentario), miembro 1 (SERPINF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002575	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado B (albúmina de huevo), miembro 2 (SERPINB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000220	Canal de potasio rectificado internamente, subfamilia J, miembro 1 (KCNJ1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000191	3-Hidroximetil-3-metilglutaril-Coenzima A liasa (hidroximetilglutaricaciduria) (HMGCL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001978	Proteína de membrana de eritrocito, banda 4,9 (dematina) (EPB49) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003646	Diacilglicerolcinasa. zeta (104 kD) (DGKZ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001346	Diacilglicerolcinasa, gamma (90 kD) (DGKG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003647	Diacilglicerolcinasa, épsilon (64 kD) (DGKR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001235	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado H (proteína de choque térmico 47), miembro, 2 (SERPINH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001694	ATPasa, transporte de H ⁺ , lisosómica (bomba de protones vacuolar) 16 kD (ATP6L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000488	Inhibidor de serina (o cisteína) proteinasa, clado C (antitrombina), miembro 1 (SERPINC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021156	Proteína hipotética (DJ971N18.2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000875	Receptor de factor de crecimiento tipo insulina 1 (IGF1R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000605	Interferón, alfa 2 (IFNA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021647	Producto génico de KIAA0626 (KIAA0626) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021645	Producto génico de KIAA0266 (KIAA0626) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021109	Timosina, beta 4, cromosoma X (TMSB4X) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021642	Fragmento Fc de IgG, baja afinidad IIa, receptor por (CD32) (FCGR2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021240	Proteína específica de testículo (LOC58524) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021189	Proteína FLJ10698 hipotética (LOC57863) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021129	Pirofosfatasa (inorgánica) (PP) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_015140	Proteína KIAA0153 (K1AA0153) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021635	Proteína UC28 (UC28) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021631	Inhibidor de apoptosis (FKSG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021615	Hidrato de carbono (N-acetilglucosamina 6-O) sulfotransferasa 6 (CHST6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012334	Miosina X (MYO10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020363	Delecionada en azoospermia 2 (DAZ2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020364	Delecionada en azoospermia 3 (DAZ3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017445	Familia de histona H2B, miembro S (H2BFS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021132	Proteína fosfatasa 3 (anteriormente 2B), subunidad catalítica, isoforma beta (calcineurina A beta) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm (PPP3CB)
NM_021016	Glucoproteína 3 beta-1 específica del embarazo (PSG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015705	Proteína hipotética (DJ1042K10.2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021572	Ectonucleótido pirofosfatasa/fosfodiesterasa 5 (función putativa) (ENPP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021216	Proteína del dedo de cinc endotelial inducida por factor de necrosis tumoral alfa (EZFIT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001332	Catenina (proteína asociada a cadherina), delta 2 (proteína de repetición de brazo relacionado con placofilina neural) (CTNND2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021185	Proteína DKFZp434A1022 hipotética (DKFZP434A1022) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018955	Ubiquitina B (UBB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017533	Miosina, polipéptido pesado 4, de músculo esquelético, (MYH4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014621	Caja homeótica D4 (HOXD4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000618	Factor de crecimiento tipo insulina 1 (somatomedina C) (IGF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021571	Inhibidor de caspasa-1 ICEBERG (ICEBERG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000045	Arginasa, hígado (ARG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005692	Casete de unión a ATP, sub-familia F (GCN20), miembro 2 (ABCF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001090	Casete de unión a ATP, sub-familia F (GCN20), miembro 1 (ABCF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002858	Casete de unión a ATP, sub-familia D (ALD), miembro 3 (ABCF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001172	Arginasa, tipo II (ARG2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_001117	Polipéptido activador de adenilato ciclasa 1 (pituitaria) (ADCYAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004036	Adenilato ciclasa 3 (ADCY3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019843	Transportador eIF4E (4E-T) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006454	Homólogo Mad4 (MAD4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002355	Receptor de manosa-6-fosfatasa (dependiente de cationes) (M6PR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014287	Proteína pM5 (PM5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004102	Proteína de unión a ácidos grasos 3, músculo y corazón (inhibidor de crecimiento derivado de mamario) (FABP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000134	Proteína de unión a ácidos grasos 2, intestinal, (FABP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005354	Proto-oncogén jun D (JUND) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005159	Actina, alfa, músculo cardíaco (ACTC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019848	Proteína P3 (P3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003948	Tipo cinasa dependiente de ciclina 2 (cinasa relacionada con CDC2) (CDKL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021131	Proteína fosfatasa 2A, subunidad reguladora B' (PR 53) (PPP2R4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021268	Interferón, alfa 17 (IFNA17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002339	Proteína específica de linfocito 1 (LSP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001166	Repetición de baculovirus IAP que contiene 2 (BIRC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003399	X-prolil aminopeptidasa (aminopeptidasa P) 2, unida a membrana (XPNPEP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000541	Antígeno S; retina y glándula pineal (arrestina) (SAG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013262	Proteína de interacción con cadena ligera reguladora de miosina (MIR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005393	Plexina B3 (PLXNB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021098	Canal de calcio, dependiente de tensión, subunidad alfa 1H (CACNA1H) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021257	Neuroglobina (NGB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021253	Proteína de dedo anular 23 (RNF23) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021247	Protamina 3 (PRM3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021242	Proteína STRAIT11499 hipotética (STRAIT11499) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021238	Proteína TERA (TERA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021223	Cadena ligera de miosina 2a (LOC58498) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021221	Proteína G5b (G5B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021210	Proteína MUM2 (MUM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021208	Proteína EST-YD1 (EST-YD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021200	Proteína que contiene dominio PH en retina 1 (PHRET1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021199	Proteína CGI-44; tipo sulfuro deshidrogenasa (levadura) (CGI-44) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021198	Factor de interacción con interactuador nuclear (NLI-IF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021193	Caja homeótica D12 (HOXD12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021192	Caja homeótica D11 (HOXD11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021188	Clones 23667 y 23775 de proteína de dedo de cinc (LOC57862) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021184	Proteína G4 (G4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021177	Proteína tipo Sm asociada a ARNnc de U6 (LSM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021174	Proteína p30 DBC (LOC57805) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021167	Proteína WUGSC:H_RG083M05.2 hipotética (LOC57798) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021159	RAP1, estimulador de disociación de GTP-GDP 1 (RAP1GDSI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021155	Antígeno CD209 (CD209) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021147	Uracilo-ADN glucosilasa 2 (UNG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021140	Gen de repetición de tetratricopéptido ubicuamente transcrito, cromosoma X (UTX), de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021139	Familia de la UDP glucosiltransferasa 2, polipéptido B4 (UGT2B4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_021138	Factor asociado a receptor de TNF (TRAF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021137	Factor de necrosis tumoral, proteína inducida por alfa 1 (TNFAIP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021136	Reticulon 1 (RTN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021135	Proteína S6 cinasa ribosómica, 90 kD, polipéptido 2 (RPS6KB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021133	Ribonucleasa L (dependiente de 2',5'oligoadenilato sintetasa) (RNASEL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021130	Peptidilprolil isomerasa A (ciclofilina A) (PPIA), de ARNm
NM_021120	Discos, homólogo grande (<i>Drosophila</i>) 3 (neuroendocrino-dlg), (DLG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004239	Interactuador de receptor de hormona tiroidea 11 (TRIP11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004238	Interactuador de receptor de hormona tiroidea 12 (TRIP12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004745	Discos, proteína asociada a homólogo grande 2 (<i>Drosophila</i>) (DLGAP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004687	Proteína relacionada con miotubularina 4 (MTMR4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004348	Factor de transcripción relacionado con runt 2 (RUNX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021096	Canal de calcio, dependiente de tensión, subunidad alfa 1I (CACNA1I) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021105	Fosfolípido escramblasa 1 (PLSCR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002957	Receptor X retinoide, alfa (RXRA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006268	Requiem, gen de dedo de cinc de respuesta a apoptosis, (REQ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001106	Receptor de activina A, tipo IIB (ACVR2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001616	Receptor de activina A, tipo II (ACVR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001105	Receptor de activina A, tipo I (ACVR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005570	Lectina, de unión a manosa, 1 (LMAN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021083	Precursor del grupo sanguíneo Kell (fenotipo McLeod) (XK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013258	Proteína tipo speck asociada a apoptosis que contiene CARD (ASC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006518	Proteína rica en prolina pequeña 2C (SPRR2C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006507	Derivada de islote regenerador 1 beta (proteína de piedra pancreática, proteína de hebra pancreática) (REG1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006563	Factor tipo Kruppel 1 (eritroide) (KLF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006258	Proteína cinasa, dependiente de GMPc, tipo I (PRKG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006353	Tipo proteína 17 del grupo de movilidad alta (cromosómica no histona) 3 (HMG17L3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005987	Proteína rica en prolina pequeña 1A (SPRR1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005952	Metalotioneína 1X (MT1X) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005950	Metalotioneína 1G (MT1G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005699	Proteína de unión a interleucina 18 (IL18BP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004618	Topoisomerasa (ADN) III alfa (TOP3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001136	Receptor específico de producto final de la glucosilación avanzada (AGER) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000866	Receptor de 5-hidroxitriptamina (serotonina) 1F (HTR1F) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000637	Glutación reductasa (GSR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000636	Superóxido dismutasa 2, mitocondrial (SOD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000635	Factor regulador X, 2 (influye en la expresión de HLA clase II) (RFX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000629	Receptor de interferón (alfa, beta y omega) 1 (IFNAR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000625	Óxido nítrico sintasa 2A (inducible, hepatocitos) (NOS2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003998	Factor nuclear de potenciador de gen de polipéptido ligero kappa en linfocitos B 1 (p105) (NFKB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000621	Receptor de 5-hidroxitriptamina (serotonina) 2A (HTR2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000620	Óxido nítrico sintasa 1 (neuronal) (NOS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000619	Interferón, gamma (IFNG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000617	Familia de transportadores de solutos 11 (transportadores de iones metálicos divalentes acoplados a protones), miembro 2, (SLC11A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000616	Antígeno CD4 (p55) (CD4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000611	Antígeno CD59 p18-20 (antígeno identificado por anticuerpos monoclonales 16.3A5, EJ16, EJ30, EL32 y G344) (CD59) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000610	Antígeno CD4 (función de localización y sistema del grupo sanguíneo indio) (CD44) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000603	Óxido nítrico sintasa 3 (células endoteliales) (NOS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000597	Proteína de unión a factor de crecimiento tipo insulina 2 (36 kD) (IGFBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000541	Factor de necrosis tumoral (superfamilia TNF, miembro 2) (TNF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000585	Interleucina 15 (IL15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000586	Interleucina 2 (IL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000577	Antagonista de receptor de interleucina 1 (IL1RN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000576	Interleucina 1, beta (IL1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000574	Factor acelerador del deterioro para el complemento (CD55, sistema del grupo sanguíneo Cromer) (DAF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000572	Interleucina 10 (IL10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000570	Fragmento Fc de IgG, baja afinidad baja, IIIb, receptor para (CD16) (FCGR3B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000567	Proteína reactiva C, relacionada con pentraxina (CRP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000566	Fragmento Fc de IgG, alta afinidad Ia, receptor para (CD64) (FCGR1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000564	Receptor interleucina 5, alfa (IL5RA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000561	Glutación-S-transferasa M1 (GSTM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000555	Doble corteza, lisencefalia, ligada al cromosoma X (doblecortina) (DCX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000298	Piruvato cinasa, hígado y glóbulos rojos (PKLR) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_000259	Miosina VA, (polipéptido pesado 12, mioxina), (MYO5A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000525	Canal de potasio rectificado internamente, subfamilia J, miembro 11 (KCNJ11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021090	Proteína relacionada con miotubularina 3 (MTMR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021077	Neuromedina B (NMB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021068	Interferón, alfa 4 (FNA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006512	Amiloide en suero A4, constitutivo (SAA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006607	Transformante de tumor pituitario 2 (PTTG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021075	Flavoproteína de NADH deshidrogenasa (ubiquinona) 3 (80 kD) (NDUFV3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005951	Metalotioneína 1H (MT1H) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000330	Retinosquisis (ligada a X, juvenil) 1 (RS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005597	Factor nuclear I/C (factor de transcripción de unión a CCAAT) (NFIC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005268	Proteína de unión comunicante, beta 5 (conexina 31.1) (GJB5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004268	Cofactor requerido para la activación transcripcional de Sp1, subunidad 6 (77 kD) (CRSP6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004355	Antígeno CD74 (polipéptido invariante del complejo mayor de histocompatibilidad, asociado a antígeno de clase II) (CD74) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002760	Proteína de cinasa, ligada a Y (PRKY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002520	Nucleofosmina (fosfoproteína nucleolar B23, numatrina) (NPM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002167	Inhibidor de unión a ADN 3, proteína hélice-bucle-hélice negativa dominante (ID3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002028	Farnesiltransferasa, caja CAAX, beta (FNTB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003491	N-Acetiltransferasa, homólogo de <i>S. cerevisiae</i> ARD1 (ARD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001770	Antígeno CD19 (CD19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001664	Familia del gen homólogo de ras, miembro A (ARHA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003919	Sarcoglucano, épsilon, (SGCE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003841	Superfamilia del receptor del factor de necrosis tumoral, miembro 10c, señuelo sin dominio intracelular (TNFRSF10C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003455	Proteína del dedo de cinc 202 (ZNF202) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003452	Proteína del dedo de cinc 189 (ZNF189) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003316	Dominio de repetición del tetratricopéptido 3 (TTC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003166	Familia de sulfotransferasa, citosólica, 1A, de preferencia de fenol, miembro 3 (SULT1A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003117	Molécula de adhesión a espermatozoides 1 (hialuronidasa PH-20, unión a la zona pelúcida) (SPAM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002222	Receptor de inositol 1,4,5-trifosfato, tipo 1 (ITPR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001532	Familia de transportadores de solutos 29 (transportadores de nucleósidos), miembro 2, (SLC29A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001437	Receptor de estrógenos 2 (ER beta) (ESR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001331	Catenina (proteína asociada a cadherina), delta 1 (CTNND1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001307	Claudina 7 (CLDN7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001194	Canal de potasio dependiente de nucleótidos cíclicos activados por hiperpolarización 2 (HCN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001175	Inhibidor de disociación de Rho GDP (GDI) beta (ARHGDIB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000936	Lipasa pancreática (PNLIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000641	Interleucina 11 (IL11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000640	Receptor de interleucina 13, alfa 2 (IL13RA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000615	Molécula de adhesión celular neural 1 (NCAM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000609	Factor derivado de célula estromal 1 (SDF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000600	Interleucina 6 (interferón, beta 2) (IL6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000599	Proteína de unión al factor de crecimiento tipo insulina 5 (IGFBP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000590	Interleucina 9 (IL9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000584	Interleucina 8 (IL8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000581	Glutación peroxidasa 1 (GPX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000560	Antígeno CD53 (CD53) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000528	Manosidasa, alfa, clase 2B, miembro 1 (MAN2B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000404	Galactosidasa, beta 1 (GLB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001275	Cromogranina A (proteína secretora de paratiroides 1) (CHGA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006768	Proteína asociada a BRCA1 (BRAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003469	Secretogranina II (cromogranina C) (SCG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012326	Proteína asociada a microtúbulo, familia RP/EB, miembro 3 (MAPRE3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021057	Interferón, alfa 7 (IFNA7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021062	Familia de histonas H2B, miembro F (H2BFF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021063	Familia de histonas H2B, miembro B (H2BFB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021065	Familia de histonas H2A, miembro G (H2AFG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004146	Subcomplejo 1 beta de NADH deshidrogenasa (ubiquinona), 7 (18 kD, B18) (NDUFB7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001746	Calnexina (CANX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003661	Apolipoproteína L (APOL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021052	Familia de histonas H2A, miembro A (CH2AFA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020988	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), polipéptido de actividad de activación alfa O (GNAO1), de ARNm
NM_000133	Factor de coagulación IX (componente trombotástico plasmático, enfermedad de Christmas, hemofilia B) (F9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000130	Factor de coagulación V (proacelerina, factor lábil) (F5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001993	Factor de coagulación III (tromboplastina, factor tisular) (F3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020689	Intercambiador de calcio-sodio (NCKX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021033	RAP2A, miembro de la familia oncogénica RAS (RAP2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021023	Factor del complemento H relacionado 3 (FHR-3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021026	Tipo proteína de dedo ret 1 (RFPL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021008	Supresina (factor autorregulador epidérmico deformado nuclear 1 relacionado con (DEAF-1)) (SPN), de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020993	CLL de linfocitos B/linfoma 7A (BCL7A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020994	Antígeno de cáncer/testículo 2 (CTAG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021000	Transformante de tumor pituitario 3 (PTTG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020997	Determinación izquierda-derecha, factor B (LEFTB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021014	Sarcoma sinovial, punto de corte X 3 (SSX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021015	Sarcoma sinovial, punto de corte X 5 (SSX5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_021007	Canal de sodio, abierto por tensión, tipo II, polipéptido alfa 2 (SCN2A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021012	Canal de potasio rectificado internamente, subfamilia J, miembro 12 (KCNJ12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020995	Proteína relacionada con haptoglobina (HPR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000347	Espectrina, beta, eritrocítica (incluye esferocitosis, tipo clínico 1) (SPTB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007032	Proteína nuclear putativa (HRIHFB2122) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001320	Caseína cinasa 2, polipéptido beta, (CSNK2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013252	Lectina tipo C (dominio de reconocimiento de hidratos de carbono dependiente de calcio), miembro de superfamilia 5 (CLECSF5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020978	Amilasa, alfa 2B, pancreática (AMY2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020636	Proteína del dedo de cinc 275 (ZNF275) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020547	Receptor de hormona anti-mulleriana, tipo II (AMHR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020974	Proteína CEGP1 (CEGP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020681	Proteína HT018 (HT018) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020676	Proteína lipasa (LOC57406) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020672	Proteína de unión a calcio tipo S100 A14 (LOC57402) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020661	Citidina desaminasa inducida por activación (AICDA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020657	Proteína del dedo de cinc 304 (ZNF304) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020654	Proteasa específica de sentrina/SUMO (SENPT7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020646	Reservada (ASCL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020640	Homólogo de RP42 (RP42) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020639	Dominio de repetición de anquirina 3 (ANKRD3), de ARNm
NM_020632	ATPasa, transporte de H ⁺ , lisosómica, proteína accesoria no catalítica 1B (ATP6N1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020648	Gastrulación trenzada (TSG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018970	Receptor acoplado a proteína G 85 (GPR85) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003901	Esfingosina-1-fosfato-liasa 1 (SGPL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014292	Homólogo de cromocaja 6 (CBX6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006735	Caja homeótica A2 (HOXA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019041	Similar a factores de liberación de la cadena peptídica clase I tipo procariota (LOC54516) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014428	Proteína 3 de unión hermética (zona occludens 3) (TJP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_020466	Proteína dJ12208.2 hipotética (DJ12208.2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020448	Proteína dJ462023.2 hipotética (DJ462023.2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020425	Proteína DKFZp586E1923 hipotética (DKFZP586E1923) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020424	Proteína A-211C6.1 hipotética (LOC57149) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020317	Proteína dJ465N24.2.1 hipotética (DJ465N24.2.1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020315	Proteína dJ37E16.5 hipotética (DJ37E16.5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020313	Proteína hipotética (LOC57019) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019897	Receptor olfatorio, familia 2, subfamilia S, miembro 2 (OR2S2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019605	Proteína hipotética (DJ667H12.2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019601	Que contiene dominio Sushi (repetición SCR) (BK65A6.2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018433	Proteína de dedo de cinc putativa (LOC55818) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019095	Proteína hipotética (LOC54675) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019089	Homólogo hairy y enhancer of split (<i>Drosophila</i>) 2 (HES2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018982	Proteína hipotética (DJ167A19.1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018974	Homólogo de unc93 (<i>C. elegans</i>) A (UNC93A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014499	Receptor purinérgico putativo (P2Y10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020530	Oncostatina M (OSM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020529	Factor nuclear de potenciador de gen de polipéptido ligero kappa en inhibidor de linfocitos B, alfa (NFKBIA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014204	Destructor ovárico relacionado con BCL2 (BOK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020527	Gen HUG1 (HUG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006093	Proteoglucano 3 (PRG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020533	Mucolipina 1 (MCOLN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007345	Proteína de dedo de cinc 236 (ZNF236) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002217	Inhibidor pre-alfa (globulina), polipéptido H3 (ITI3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018693	Proteína asociada a vitiligo VIT-1 (VIT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006777	Kaiso (ZNF-kaiso) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020436	Similar a SALL1 (tipo sal (<i>Drosophila</i>)) (LOC57167) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020142	Homólogo de NADH:ubiquinona oxidoreductasa subunidad MLRQ (LOC56901) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020123	Isólogo de precursor de la endoproteína de membrana emp70 (LOC56889) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018845	Proteína de célula estromal (LOC55974) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018842	Sustrato de la tirosina cinasa del receptor de insulina (LOC55971) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018841	Subunidad 12 de proteína G gamma (LOC55970) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018839	Proteína p47 (LOC55968) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016352	Carboxipeptidasa A3 (LOC51200) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016302	Proteína x 0001 (LOC51185) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014332	Proteína de músculo pequeño, ligada a X (SMPX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018948	Gen 33/Mig-6 (MIG-6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014587	Caja 8 de SRY (región determinante del sexo Y) (SOX8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005745	Proteínas accesorias BAP31/BAP29 (DXS1357E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001094	Canal de cationes sensibles a amilorida 1, neuronal (degenerina) (ACCN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019609	Metalocarboxipeptidasa CPX-1 (CPX-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018844	Proteína asociada a receptor de linfocitos B BAP29 (BAP29) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017572	Cinasa de receptor acoplado a proteína G 7 (GPRK7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016418	Clon FLB5214 (LOC51219) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016301	Proteína x 0004 (LOC51184) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013387	Complejo ubiquinol-citocromo c reductasa (7,2 kD) (HSPC051) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020469	Grupo sanguíneo ABO (transferasa A, alfa 1-3-N-acetilgalactosaminiltransferasa; transferasa B, alfa 1-3-galactosiltransferasa) (ABO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020445	Proteína relacionada con actina 3-beta (ARP3BETA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020435	Conexina 46.6 (CX46.6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020426	Homólogo de lisozima (LOC57151) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020379	1,2-Alfa-manosidasa IC (HMIC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020407	Glucoproteína Rh tipo B (RHBG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020406	Policitemia rubra vera 1; receptor de superficie celular (PRV1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020377	Receptor CysLT2 de cisteinil leucotrieno; cDNA PSEC0146 de clon PLACE1006979 (LOC57105) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020355	Forma corta de HRPAP20 (LOC57090) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020350	Proteína ATRAP (ATRAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020380	Proteína AF15q14 (AF15Q14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020368	Alterador de la silenciación 10 (SAS10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_020344	Familia de transportadores de solutos 24 (intercambiador sodio/potasio/calcio), miembro 2 (SLC24A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020396	Tipo BCL2 10 (facilitador de la apoptosis) (BCL2L10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020384	Claudina 2 (CLDN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007260	Lisofosfolipasa II (LYPLA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000390	Corooideremia (proteína de escolta de Rab 1) (CHM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001994	Factor de coagulación XIII, polipéptido B (F13B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000129	Factor de coagulación XIII, polipéptido A1 (F13A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000505	Factor de coagulación XII (factor de Hageman) (F12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000504	Factor de coagulación X (F10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005509	Tipo Dmx 1 (DMXL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001300	Proteína de unión al elemento promotor del núcleo (COPEB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012089	Casete de unión a ATP, sub-familia B (MDR/TAP), miembro 10 (ABCB10) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_007188	Casete de unión a ATP, sub-familia B (MDR/TAP), miembro 8 (ABCB8) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_005689	Casete de unión a ATP, sub-familia B (MDR/TAP), miembro 6 (ABCB6) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_001216	Anhidrasa carbónica IX (CA9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000717	Anhidrasa carbónica IV (CA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001218	Anhidrasa carbónica XII (CA12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001217	Anhidrasa carbónica XI (CA11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006384	Proteína de unión a calcio e integrina (proteína de interacción con proteína cinasa dependiente de ADN) (SIP2-28) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016734	Gen de caja apareada 5 (proteína activadora específica de linaje de linfocitos B) (PAX5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000687	S-Adenosilhomocisteína hidrolasa (AHCY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004482	UDP-N-acetil-alfa-D-galactosamina:polipéptido N-acetilgalactosaminiltransferasa 3 (GalNAc-T3) (GALNT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004481	UDP-N-acetil-alfa-D-galactosamina:polipéptido N-acetilgalactosaminiltransferasa 2 (GalNAc-T2) (GALNT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000512	Galactosamina (N-acetil)-6-sulfato sulfatasa (síndrome de Morquio, mucopolisacaridosis tipo IV A) (GALNS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000403	Galactosa-4-epimerasa, UDP- (GALE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_020310	Proteína de unión a MAX (MNT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006250	Subfamilia de proteína HaeIII rica en prolina 1 (PRH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005164	Casete de unión a ATP, sub-familia D (ALD), miembro 2 (ABCD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020300	Glutación S-transferasa microsómica 1 (MGST1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000728	Polipéptido relacionado con calcitonina, beta (CALCB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020127	Tuftelina 1 (TUFT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020040	Tubulina, polipéptido beta 4, miembro Q (TUBB4Q) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020126	Isoforma de esfingosina cinasa tipo 2 (SPHK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020203	Fosfoglicoproteína extracelular de matriz con motivo ASARM (hueso) (MEPE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020231	Proteína x 010 (MDS010) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020132	Ácido lisofosfatídico aciltransferasa-gamma 1 (LPAAT-gamma1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020246	Proteína de interacción con el cotransportador de cloruro catiónico (LOC56996) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020243	Receptor de importación mitocondrial Tom22 (LOC56993) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020240	Proteína efectora de no cinasa Cdc42 SPEC2 (LOC56990) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020184	Proteína de dominio antiguo conservado 4 (LOC56939) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020178	Proteína relacionada con la anhidrasa carbónica 10 (LOC56934) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020155	Proteína hipotética ORF4 del cromosoma 11 (LOC56834) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020179	Proteína FN5 (FN5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020187	Proteína DC12 (DC12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_020156	UDP-galactosa:N-acetilgalactosamina-alfa-R beta 1,3-galactosiltransferasa del núcleo 1 (C1GALT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000352	Casete de unión a ATP, sub-familia C (CFTR/MRP), miembro 8 (ABCC8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000374	Uroporfirinógeno descarboxilasa (UROD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002872	Sustrato 2 de la toxina botulínica C3 relacionada con Ras 2 (familia rho, proteína de unión a GTP pequeña Rac2) (RAC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004152	Ornitina descarboxilasa antizima 1 (OAZ1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002527	Neurotrofina 3 (NTF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002295	Receptor de laminina 1 (67 kD, proteína ribosómica SA) (LAMR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002293	Laminina, gamma 1 (anteriormente LAMB2) (LAMC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002292	Laminina, beta 2 (laminina S) (LAMB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002290	Laminina, alfa 4 (LAMA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006192	Gen de caja apareada 1 (PAX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019896	Subunidad de ADN polimerasa épsilon p12 (P12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000583	Componente específico de grupo (proteína de unión a vitamina D) (GC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019891	Oxidoreductina 1-Lbeta de retículo endoplásmico (ERO1-L(BETA)) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006705	Inducible por detención del crecimiento y daños en el ADN, gamma (GADD45G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001924	Inducible por detención del crecimiento y daños en el ADN, alfa (GADD45A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019844	Familia de transportadores de solutos 21 (transportador de aniones orgánicos), miembro 8 (SLC21A8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019644	Proteína que contiene motivo de anquirina específica de testículo (LOC56311) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019842	Canal de potasio dependiente de voltaje, subfamilia tipo KQT, miembro 5 (KCNQ5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012281	Canal de potasio abierto por tensión, subfamilia relacionada con Shal, miembro 2 (KCND2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019857	CTP sintasa II (CTPS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019839	Receptor con siete dominios transmembrana BLTR2; receptor de leucotrieno B4 BLT2 (BLTR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005757	Proteína de dedo de cinc de tipo C3H; similar a proteína muscleblind B de <i>D. melanogaster</i> (MBLL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004299	Casete de unión a ATP, sub-familia B (MDR/TAP), miembro 7 (ABCB7) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_004683	Regucalcina (proteína marcadora de senescencia 30) (RGN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019618	Homólogo de interleucina-1 1 (IL-1H1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018950	Complejo mayor de histocompatibilidad, clase I, F (HLA-F) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019610	Proteína 669 hipotética (LOC56267) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000523	Caja homeótica D13 (H0XD13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019607	Proteína FLJ11267 hipotética (FLJ11267) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019604	Molécula asociada a linfocitos T restringida por el MHC de clase I (CRTAM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012328	Gen de diferenciación endotelial microvascular 1 (MDG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013303	Proteína hipotética fetal (HSU84971) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013298	Proteína hipotética (HSU79252) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_013386	Proteína hipotética (DKFZp586G0123) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013313	Proteína hipotética (AF060862) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019116	Similar a proteína de unión a ubiquitina (UBPH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018961	Que contiene ubiquitina asociada y dominio SH3, A (UBASH3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018968	Sintrofina, gamma 2 (SNTG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018967	Sintrofina, gamma 1 (SNTG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018969	Receptor superconservado expresado en cerebro 3 (SREB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018964	Familia de transportadores de solutos 37 (transportador de glicerol-3-fosfato), miembro 1 (SLC37A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018945	Fosfodiesterasa 7B (PDE7B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019066	MAGE tipo 2 (MAGEL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019060	Proteína NICE-1 (NICE-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019099	Proteína hipotética (LOC55924) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019003	Tipo espidilina (LOC54466) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018952	Caja homeótica 36 (HOXB6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018951	Caja homeótica A10 (HOXA10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018942	Caja homeótica (H6 familia) 1 (HMX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019109	Beta-1,4 manosiltransferasa (HMT-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019052	HCR (homólogo de varilla superenrollada de hélice a) (HCR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018985	Proteína (HCGIV.9) hipotética de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019096	Proteína de unión a GTP 2 (GTPBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018949	Receptor acoplado a proteína G 14 (GPR14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019048	Proteína hipotética (FLJ20752) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019086	Proteína FLJ20674 hipotética (FLJ20674) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019040	Proteína hipotética (FLJ20498) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018988	Proteína hipotética (FLJ20330) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019005	Proteína hipotética (FIJ20323) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019027	Proteína hipotética (FLJ20273) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019008	Proteína hipotética (FLJ20232) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019000	Proteína hipotética (FLJ20152) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019087	Proteína FLJ20051 hipotética (FLJ20051) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018996	Proteína hipotética (FLJ20015) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019021	Proteína hipotética (FLJ20010) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019018	Proteína hipotética (FLJ11127) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019084	Proteína FLJ10895 hipotética (FLJ10895) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019070	Proteína hipotética (FLJ10432) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019088	Proteína F23149_1 hipotética (F23149_1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019002	Proteína ETAA16 (ETAA16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019114	Gen EHM2 (EHM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018973	Polipéptido de dolícil-fosfato-manosiltransferasa 3 (DPM3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018959	Proteína asociada a DAZ 1 (DAZAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_019098	Canal dependiente de nucleótido cíclico beta 3 (CNGB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018958	Marco de lectura abierto 2 del cromosoma 15 (C15ORF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000379	Xanteno deshidrogenasa XDH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000552	Factor de von Willebrand (VWF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000362	Inhibidor tisular de metaloproteínasa 3 (distrofia del fondo de Sorsby, pseudoinflamatoria) (TIMP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003255	Inhibidor tisular de metaloproteínasa 2 (TIMP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003001	Complejo succinato deshidrogenasa, subunidad C, proteína integral de membrana, 15 kD (SDHC) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_003000	Complejo succinato deshidrogenasa, subunidad B, sulfuro de hierro (Ip) (SDHB) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_006745	Tipo esteroil-C4-metil oxidasa (SC4MOL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006860	Proteína de unión a GTP putativa similar a RAY/RA1IC (RAYL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000531	Ornitina carbamoiltransferasa (OTC) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_000607	Orosomucoide 1 (ORM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002538	Occludina (OCLN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002301	Lactato deshidrogenasa C (LDHC) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_017448	Lactato deshidrogenasa C (LDHC) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_000892	Calicreína B, plasma (factor de Fletcher) 1 (KLKB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002193	Inhibina, beta B (polipéptido activina AB beta) (INHBB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002191	Inhibina, alfa (INHA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002015	Caja forkhead O1A (rabdomiosarcoma) (FOXO1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004473	Caja orkhead E1 (factor de transcripción tiroideo 2) (FOXE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000804	Receptor de folato 3 (gamma) (FOLR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000803	Receptor de folato 2 (fetal) (FOLR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004742	Proteína asociada a BAI1 (BAIAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004925	Acuaporina 3 (AQP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007182	Familia de dominio de asociación a Ras (Ra1GDS/AF-6) 1 (RASSF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018941	Lipofuscinosis ceroides, neuronal 8 (epilepsia, progresiva con retraso mental) (CLN8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016936	Ubinucleína 1 (UBN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012406	Dominio PR que contiene 4 (PRDM4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018728	Miosina 5C (MYO5C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017540	Proteína DKFZp586H0623 hipotética (DKFZp586H0623) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018651	Proteína de dedo de cinc (ZFP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017503	Surfeit 2 (SURF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018419	Caja de SRY (región determinante del sexo Y) 18 (SOX18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018427	Factor de transcripción de ARN polimerasa I RRN3 (RRN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018545	Proteína PRO2955 hipotética (PRO2955) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018525	Proteína PRO2369 hipotética (PRO2369) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018520	Proteína PRO2268 hipotética (PRO2268) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018605	Proteína PRO1777 hipotética (PRO1777) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018573	Proteína PRO 1068 hipotética (PRO1068) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018572	Proteína PRO1051 hipotética (PRO1051) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018569	Proteína PRO0971 hipotética (PRO0971) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018592	Proteína PRO0800 hipotética (PRO0800) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018563	Proteína PRO0758 hipotética (PRO0758) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018699	Dominio PR que contiene 5 (PRDM5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017534	Miosina, polipéptido pesado 2, músculo esquelético, adulto (MYH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018461	Proteína de células madre hematopoyéticas/progenitoras no caracterizada MDS026 (MDS026) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018559	Proteína 7 de respuesta específica de lipopolisacárido (LSR7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018694	Proteína de unión a HSVI (LOC55913) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018663	22 kDa, tipo proteína de membrana peroxisómica (LOC55895) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018640	Factor de transcripción específico neuronal DATI (LOC55885) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018639	Proteína WD que contiene caja CS (LOC55884) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018449	Proteína AD-012 (LOC55833) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018658	Canal de potasio rectificado internamente, subfamilia J, miembro 16 (KCNJ16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018671	Proteína hipotética (IRO039700) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018439	Proteína IMPACT hipotética (IMPACT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017521	Proteína FEV (HSARNFEV) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017526	Proteína relacionada con gen receptor de leptina (HSOBRGRP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017513	Proteína de cromosoma en metafase 1 (HSMCR30) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017532	Proteína p65 (HSAJ2425) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018682	Proteína HDCMC04P hipotética (HDCMC04P) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018680	Proteína HDCGC21P hipotética (HDCGC21P) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018428	Antígeno asociado a carcinoma hepatocelular 66 (HCA66) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017528	Metiltransferasa putativa (HASJ4442) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017964	Proteína FLJ20837 hipotética (FLJ20837) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017952	Proteína FLJ20758 hipotética (FLJ20758) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017936	Proteína FLJ20707 hipotética (FLJ20707) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017933	Proteína FLJ20701 hipotética (FLJ20701) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017931	Proteína FLJ20699 hipotética (FLJ20699) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017911	Proteína FLJ20635 hipotética (FLJ20635) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017898	Proteína FLJ20605 hipotética (FLJ20605) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017888	Proteína FLJ20581 hipotética (FLJ20581) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017865	Proteína FLJ20531 hipotética (FLJ20531) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017855	Proteína FLJ20513 hipotética (FLJ20513) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017849	Proteína FLJ20507 hipotética (FLJ20507) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017845	Proteína FLJ20502 hipotética (FLJ20502) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017842	Proteína FLJ20489 hipotética (FLJ20489) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017820	Proteína FLJ20433 hipotética (FLJ20433) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_017806	Proteína FLJ20406 hipotética (FLJ20406) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017800	Proteína FLJ20393 hipotética (FLJ20393) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017795	Proteína FLJ20378 hipotética (FLJ20378) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017794	Proteína FLJ20375 hipotética (FLJ20375) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017768	Proteína FLJ20331 hipotética (FLJ20331) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017757	Proteína FLJ20307 hipotética (FLJ20307) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017749	Proteína FLJ20294 hipotética (FLJ20294) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017733	Proteína FLJ20265 hipotética (FLJ20265) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017732	Proteína FLJ20262 hipotética (FLJ20262) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017730	Proteína FLJ20259 hipotética (FLJ20259) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017723	Proteína FLJ20245 hipotética (FLJ20245) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017720	Proteína FLJ20234 hipotética (FLJ20234) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017715	Proteína FLJ20216 hipotética (FLJ20216) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017667	Proteína FLJ20097 hipotética (FLJ20097) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017652	Proteína FLJ20070 hipotética (FLJ20070) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017635	Proteína FLJ20039 hipotética (FLJ20039) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017632	Proteína FLJ20036 hipotética (FLJ20036) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017624	Proteína FLJ20019 hipotética (FLJ20019) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017623	Proteína FLJ20018 hipotética (FLJ20018) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018390	Proteína FLJ11323 hipotética (FLJ11323) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018382	Proteína FLJ11292 hipotética (FLJ11292) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018337	Proteína FLJ11137 hipotética (FLJ11137) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018320	Proteína FLJ11099 hipotética (FLJ11099) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018317	Proteína FLJ11082 hipotética (FLJ11082) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018301	Proteína FLJ11016 hipotética (FLJ11016) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018295	Proteína FLJ11000 hipotética (FLJ11000) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018291	Proteína FLJ10986 hipotética (FLJ10986) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018290	Proteína FLJ10983 hipotética (FLJ10983) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018280	Proteína FLJ10945 hipotética (FLJ10945) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018266	Proteína FLJ10902 hipotética (FLJ10902) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_018263	Proteína FLJ10898 hipotética (FLJ10898) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018249	Proteína FLJ10867 hipotética (FLJ10867) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018233	Proteína FLJ10826 hipotética (FLJ10826) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018202	Proteína FLJ10747 hipotética (FLJ10747) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018194	Proteína FLJ10724 hipotética (FLJ10724) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018191	Proteína FLJ10716 hipotética (FLJ10716) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018134	Proteína FLJ10547 hipotética (FLJ10547) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018131	Proteína FLJ10540 hipotética (FLJ10540) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018124	Proteína FLJ10520 hipotética (FLJ10520) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018114	Proteína FLJ10496 hipotética (FLJ10496) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018107	Proteína FLJ10482 hipotética (FLJ10482) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018098	Proteína FLJ10461 hipotética (FLJ10461) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018085	Proteína FLJ10402 hipotética (FLJ10402) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018079	Proteína FLJ10379 hipotética (FLJ10379) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018063	Proteína FLJ10339 hipotética (FLJ10339) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018062	Proteína FLJ10335 hipotética (FLJ10335) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018059	Proteína FLJ10324 hipotética (FLJ10324) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018053	Proteína FLJ10307 hipotética (FLJ10307) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018046	Proteína FLJ10283 hipotética (FLJ10283) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018006	Proteína FLJ10140 hipotética (FLJ10140) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018004	Proteína FLJ10134 hipotética (FLJ10134) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017999	Proteína FLJ10111 hipotética (FLJ10111) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017992	Proteína FLJ10083 hipotética (FLJ10083) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017991	Proteína FLJ10081 hipotética (FLJ10081) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017979	Proteína FLJ10043 hipotética (FLJ 10043) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017975	Proteína FLJ10036 hipotética (FLJ10036) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017973	Proteína FLJ10034 hipotética (FLJ10034) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017610	Proteína DKFZp761D081 hipotética (DKFZp761D081) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018457	Proteína DKFZp564J157 hipotética (DKFZP564J157) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017590	Proteína DKFZp434K0920 hipotética (DKFZp434K0920) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_017566	Proteína DKFZp434G0522 hipotética (DKFZp434G0522) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017612	Proteína DKFZp434E2220 hipotética (DKFZp434E2220) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018641	Condroitín 4-O-sulfotransferasa 2 (C4S-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018659	Proteína tipo citosina C17 (C17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018656	Proteína expresada en exceso en cáncer de vejiga (BLOV1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_018702	Adenosina desaminasa específica de ARN bicatenario (ADAR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014160	Proteína HSPC070 (HSPC070) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004288	Homología pleckstrina, Sec7 y dominios superenrollados, proteína de unión (PSCDBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004060	Ciclina G1 (CCNG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006521	Factor de transcripción de unión a potenciador IGHM 3 (TFE3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007035	Queratocano (KERA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000546	Proteína tumoral p53 (síndrome de Li-Fraumeni) (TP53) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003015	Proteína secretada relacionada con frizzled 5 (SFRP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003012	Proteína secretada relacionada con frizzled 1 (SFRP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017414	Proteasa específica de ubiquitina 18 (USP18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016525	Proteína asociada a ubiquitina (UBAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017442	Receptor tipo toll 9 (TLR9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016937	Polimerasa (dirigida a ADN), alfa (POLA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016931	NADPH oxidasa 4 (NOX4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017433	Miosina IIIA (MYO3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016946	Molécula de adhesión (JAM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005536	Inositol(mio)-1(o 4)-monofosfatasa 1 (IMPA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017410	Caja homeótica C13 (HOXC13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017409	Caja homeótica C10 (HOXC10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015922	Similar a esteroide deshidrogenasa dependiente de NAD(P); H105e3 (H105E3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004129	Guanilatociclasa 1, soluble, beta 2 (GUCY1B2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017423	UDP-N-acetil-alfa-D-galactosamina:polipéptido N-acetilgalactosaminiltransferasa 7 (GalNAc-T7) (GALNT7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016947	Proteína G8 (G8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017434	Oxidasa dual 1 (DUOX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_012143	Proteína que interacciona con tuftelina (TIP39) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017418	Eliminada en cáncer de esófago 1 (DEC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016929	Canal intracelular de cloruro 5 (CLIC5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_017413	Apelina; ligando peptídico para el receptor APJ (APELIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000477	Albúmina (ALB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007235	Exportina, ARNt (receptor de exportación nuclear para ARNt) (XPOT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004585	Respondedor de receptor de ácido retinoico (inducido por tazaroteno) 3 (RARRES3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002134	Hemo oxigenasa (decycling) 2 (HMOX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002100	Glucoforina B (incluye grupo sanguíneo Ss) (GYPB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002099	Glucoforina A (incluye grupo sanguíneo MN) (GYPA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005708	Glupicano 6 (GPC6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013280	Proteína transmembrana rica en leucina de fibronectina 1 (FLRT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001304	Carboxipeptidasa D (CPD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013410	Adenilato cinasa 3 (AK3) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_002161	Isoleucina-ARNt sintetasa (IARS) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito corto, ARNm
NM_013417	Isoleucina-ARNt sintetasa (IARS) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito largo, ARNm
NM_015836	Triptofanil ARNt sintetasa 2 (mitocondrial) (WARS2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_004992	Proteína de unión a metil-CpG 2 (síndrome de Rett) (MECP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003926	Proteína de dominio de unión a metil-CpG 3 (MBD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006150	Sólo dominio LIM 6 (LMO6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013431	Subfamilia de receptor tipo lectina de células asesinas C, miembro 4 (KLRC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001427	Homólogo de engrailed 2 (EN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001426	Homólogo de engrailed 1 (EN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003445	Proteína de dedo de cinc 155 (PHZ-96) (ZNF155) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016220	Proteína de dedo de cinc (ZTD25) (ZFD25) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015855	Proteína asociada a tumor de Wilms (WIT-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015873	Similar a villina (VILL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016379	Proteína de carga variable en X con ocho repeticiones (VCX-8r) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016378	Proteína de carga variable en X con dos repeticiones (VCX-2r) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016437	Tubulina, gamma 2 (TUBG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016575	Proteína TU12B1-TY (TU12B1-TY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016089	Proteína de dedo KRAB-cinc SZF1-1 (SZF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013272	Familia transportadora de solutos 21 (transportador de aniones orgánicos), miembro 11 (SLC21A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015926	Proteína secretada putativa (SIG11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016224	Proteína que contiene dominio SH3 y PX SH3PX1 (SH3PX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016276	Cinasa regulada por suero/glucocorticoide 2 (SGK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015884	Proteína S2P (S2P) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016356	RU2S (RU2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016321	Glucoproteína Rh tipo C (RHCG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015900	Fosfolipasa específica de fosfatidilserina A1 alta (PS-PLA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016533	Ninjurina 2 (NINJ2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016641	Proteína de interacción de membrana de RGS16 (MIR16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014319	Proteína integral de membrana nuclear (MAN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016249	Antígeno de melanoma, familia E, 1, específica de cáncer/testículo (MAGEE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016153	LW-1 (LW-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016551	Proteína de siete transmembrana TM7SF3 (TM7SF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016529	ATPasa, tipo aminofosfolípido transportador, clase I, tipo 8A, miembro 2 (ATP8A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016432	Sinoretina (LOC51749) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016362	Precursor de grelina (LOC51738) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016270	Factor tipo Kruppel (LOC51713) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016243	Citocromo b5 reductasa 1 (B5R.1) (LOC51706) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016231	Cinasa tipo nemo (LOC51701) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016225	Proteína RhD tipo IIIa (LOC51698) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016219	Alfa 1,2-mannosidasa (LOC51697) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016217	hHDC para homólogo de <i>Drosophila</i> headcase (LOC51696) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016199	Proteína tipo Sm asociada a ARNnc de U6 LSM7 (LOC51690) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016171	Protimosina a14 (LOC51685) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016447	Proteína MAGUK p55T; proteína asociada a Lins 2 (LOC51678) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016126	Proteína HSPCO34 (LOC51668) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016118	Antígeno de NY-REN-18 (LOC51667) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016079	Proteína CGI-149 (LOC51652) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016062	Proteína CGI-128 (LOC51647) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016057	Proteína CGI-120 (LOC51644) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016056	Proteína CGI-119 (LOC51643) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016047	Proteína CGI-110 (LOC51639) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016016	Proteína CGI-69 (LOC51629) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016008	Proteína CGI-60 (LOC51626) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015995	Factor tipo Kruppel 13 (KLF13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015980	Proteína HMP19 (LOC51617) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015958	Proteína CGI-30 (LOC51611) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015941	Proteína CGI-11 (LOC51606) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015937	Proteína CGI-06 (LOC51604) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015929	Lipoiltransferasa (LOC51601) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015921	Proteína tolerante a catión divalente CUTA (LOC51596) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015908	Proteína de resistencia a arseniato ARS2 (ARS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015875	Proteína HERV-H no identificada (LOC51581) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015874	Factor de unión a H-2K 2 (LOC51580) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016283	Proteína de la glándula suprarrenal AD-004 (LOC51578) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016644	Proteína de célula madre mesenquimal DSC54 (LOC51334) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016643	Proteína de célula madre mesenquimal DSC43 (LOC51333) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016642	Espectrina beta V (BSPECV) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016638	Proteína nuclear SRp25 (LOC51329) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016637	Ncam1 (LOC51328) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016633	Proteína EDRF (LOC51327) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016625	Proteína hipotética (LOC51319) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016622	Proteína hipotética (LOC51318) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016621	Proteína hipotética (LOC51317) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016609	hBOIT para transportador de iones orgánicos tipo cerebro potente (LOC51310) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016606	Proteína SGC32445 (LOC51308) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016591	Core 2 beta-l,6-N-acetilglucosaminiltransferasa 3 (LOC51301) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016585	Gen expresado haploide testicular (THEG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016573	Proteína que interacciona con Gem (LOC51291) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016568	Receptor acoplado a proteína G SALPR; receptor de péptido tipo somatostatina y angiotensina (LOC51289) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016566	Pparl (LOC51288) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016563	Ris (LOC51285) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016548	Proteína de membrana del Golgi GP73 (LC)C51280) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016499	Proteína hipotética (LOC51259) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016490	Proteína hipotética (LOC51252) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016466	Proteína hipotética (LOC51239) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016459	Proteína hipotética (LOC5i237) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016449	Proteína hipotética (LOC51233) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016440	VRK3 para cinasa 3 relacionada con variolovacuna 3 (LOC51231) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016427	Factor de elongación de la transcripción (SIII) elongina A2 (TCEB3L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016423	Proteína de dedo de cinc 219 (ZNF219) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016361	LPAP para ácido lisofosfatídico fosfatasa (LOC51205) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016353	Rec (LOC51201) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016349	Proteína de susceptibilidad NSG-x (LOC51198) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016341	Fosfolipasa enriquecida en páncreas C (LOC51196) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016323	Proteína de unión a ciclina-E 1 (LOC51191) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016317	Esfingomielinasa neutra (LOC51190) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016286	Carbonilreductasa (LOC51181) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016269	Factor de unión a potenciador linfoide 1 (LOC51176) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016245	Deshidrogenasa/reductasa de cadena corta retiniana retSDR2 (LOC51170) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016241	Endomucina-1 (LOC51169) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016230	Flavohemoproteína b5+b5R (LOC51167) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016221	Subunidad de dinactina p62 (LOC51164) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016215	Proteína NEU1 (LOC51162) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016210	Proteína g20 (LOC51161) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016161	Alfa-1,4-N-acetilglucosaminiltransferasa (LOC51146) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016123	Antígeno de proteína cinasa NY-REN-64 putativa (LOC51135) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016120	Antígeno de proteína de dedo de cinc ring putativa NY-REN-43 (LOC51132) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016033	Proteína CGI-90 (LOC51115) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016032	Proteína CGI-89 (LOC51114) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016030	Proteína CGI-87 (LOC51112) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016028	Proteína CGI-85 (LOC51111) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016027	Proteína CGI-83 (LOC51110) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016022	Proteína CGI-78 (LOC51107) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016018	Proteína CGI-72 (LOC51105) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016013	Proteína CGI-65 (LOC51103) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016011	Proteína CGI-63 (LOC51102) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016006	Proteína CGI-58 (LOC51099) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015999	Proteína CGI-45 (LOC51094) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015982	Proteína de unión a caja Y específica de célula germinal (LOC51087) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015963	Proteína CGI-36 (LOC51078) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015959	Proteína CGI-31 (LOC51075) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015950	Proteína CGI-22 (LOC51069) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015938	Proteína CGI-07 (LOC51068) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015916	Proteína hipotética (LOC51063) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015914	Proteína hipotética (LOC51061) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015910	Proteína hipotética (LOC51057) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015901	Desconocida (LOC51055) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015893	Péptido liberador de preprolactina (LOC51052) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015887	Proteína de microcuerpos de peroxisoma putativa 175.1 (LOC51051) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015880	RIG tipo 14-1 (LOC51047) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015877	Proteína de caja asociada a Kruppel (LOC51045) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015863	Proteína B surfactante (LOC51041) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015854	Marco de lectura abierto asociado a receptor de ácido retinoico beta (LOC51036) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_015849	Elastasa pancreática IIB (LOC51032) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016075	Proteína CGI-145 (LOC51028) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016074	Proteína CGI-143 (LOC51027) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016063	Proteína CGI-130 (LOC51020) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016048	Proteína CGI-111 (LOC51015) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016044	Proteína CGI-105 (LOC51011) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015947	Proteína CGI-18 (LOC51008) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016058	Proteína CGI-121 (LOC51002) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015948	Proteína CGI-19 (LOC51000) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016040	Proteína CGI-100 (LOC50999) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016571	Lengsina (LGS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015868	Receptor NK (KIR-023GB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016281	Cinasa tipo STE20 (JIK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016358	Proteína de caja homeótica de iroquois 4 (IRX4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016291	Inositol hexakisfosfato de mamífero 2 (IP6K2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015848	Citoqueratina 2 (HUMCYT2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016506	Proteína hipotética (HSPC252) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016498	Proteína hipotética (HSPC242) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016460	Proteína hipotética (HSPC192) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016390	Proteína hipotética (HSPC109) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016091	HSPC025 (HSPC025) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016522	Neurotrimina (HNT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016258	Proteína regulada por alta glucosa 8 (HGRG8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016173	Homólogo de HEMK 7kb (HEMK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016516	Antígeno tumoral SLP-8p (HCC8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016540	Receptor acoplado a proteína G 72 (GPR72) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012196	Antígeno G 8 (GAGE8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015898	Inductor de VIH-1 de proteína de unión a transcritos cortos (FBI1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016357	Proteína epitelial perdida en neoplasma beta (EPLIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016218	Polimerasa (dirigida a ADN) kappa (POLK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_016240	Proteína CSR1 (CSR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016073	CGI-142 (CGI-142) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016315	Proteína CED-6 (CED-6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016620	Proteína hipotética (BM-005) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015896	Proteína BLu (BLu) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016426	Expresada en fase G-2 y S 1 (GTSE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015928	Proteína asociada a interrupción proliferativa de próstata inducida por andrógeno (AS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016238	Subunidad de complejo promotor de anafase 7 (APC7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016376	Proteína ANKHZN (ANKHZN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016282	Tipo adenilato cinasa 3 alfa (AKL3L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016453	Proteína SH3 (AF3P21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_016614	Proteína asociada a receptor TRAP y TNF (AD022) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015365	Síndrome de Alport, retardo mental, hipoplasia medifacial y región cromosómica de eliptocitosis, gen 1 (AMMECR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007126	Proteína que contiene valosina (VCP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001059	Receptor de taquiquinina 3 (TACR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005963	Miosina, polipéptido pesado 1, músculo esquelético, adulto (MYH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005561	Proteína de membrana asociada a lisosoma 1 (LAMP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006407	Sensible a vitamina A; relacionada con citoesqueleto (JWA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000854	Glutación S-transferasa teta 2 (GSTT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002046	Gliceraldehído-3-fosfato deshidrogenasa (GAPD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001953	Factor de crecimiento de célula endotelial 1 (derivado de plaquetas) (ECGF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000927	Casete de unión a ATP, sub-familia B (MDR/TAP), miembro 1 (ABCB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015686	Proteína TED (TED) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014070	Proteína STG (STG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014069	Proteína SPR1 (SPR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014068	Proteína SEEK1 (SEEK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014051	Proteína PTD011 (PTD011) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014109	Proteína PRO2000 (PRO2000) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014107	Proteína PRO1992 (PRO 1992) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014095	PRO 1600 Proteína (PRO1600) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014084	Proteína PRO0806 (PRO0806) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014130	Proteína PRO0483 (PRO0483) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014082	Proteína PRO0397 (PRO0397) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014125	Proteína PRO0327 (PRO0327) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014081	Proteína PRO0297 (PRO0297) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014037	Proteína NTT5 (NTT5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015367	Proteína MDLI (MIL1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_014060	Proteína MCT-1 (MCT-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014892	Proteína KIAA1116 (KIAA1116) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014968	Proteína KIAA1104 (KIAA1104) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014915	Proteína KIAA1074 (KIAA1074) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014911	Proteína KIAA1048 (KIAA1048) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014965	Proteína KIAA1042 (KIAA1042) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014947	Proteína KIAA1041 (KIAA1041) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014923	Proteína KIAA0970 (KIAA0970) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015310	Proteína KIAA0942 (KIAA0942) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015057	Proteína KIAA0916 (KIAA0916) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014944	Proteína KIAA0911 (KIAA0911) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014961	Proteína KIAA0871 (KIAA0871) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014941	Proteína KIAA0852 (KIAA0852) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015376	Proteína KIAA0846 (KIAA0846) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014715	Producto génico de KIAA0712 (KIAA0712) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014871	Producto génico de KIAA0710 (KIAA0710) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014799	Hefaestina (HEPH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014678	Producto génico de KIAA0685 (KIAA0685) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014011	Producto génico de KIAA0671 (KIAA0671) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014741	Producto génico de KIAA0652 (KIAA0652) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014662	Producto génico de KIAA0645 (KIAA0645) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014838	Producto génico de KIAA0637 (KIAA0637) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014774	Producto génico de KIAA0494 (KIAA0494) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014870	Producto génico de KIAA0478 (KIAA0478) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014856	Producto génico de KIAA0476 (KIAA0476) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014864	Producto génico de KIAA0475 (KIAA0475) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014857	Producto génico de KIAA0471 (KIAA0471) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014812	Producto génico de KIAA0470 (KIAA0470) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014826	Producto génico de KIAA0451 (KIAA0451) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014675	Producto génico de KIAA0445 (KIAA0445) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014751	Producto génico de KIAA0429 (KIAA0429) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014724	Producto génico de KIAA0426 (KIAA0426) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014684	Producto génico de KIAA0373 (KIAA0373) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014809	Producto génico de KIAA0319 (KIAA0319) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014727	Producto génico de KIAA0304 (KIAA0304) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014807	Producto génico de KIAA0285 (KIAA0285) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014767	Producto génico de KIAA0275 (KIAA0275) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014785	Producto génico de KIAA0258 (KIAA0258) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015153	Proteína KIAA0244 (KIAA0244) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014747	Producto génico de KIAA0237 (KIAA0237) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014873	Producto génico de KIAA0205 (KIAA0205) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014846	Producto génico de KIAA0196 (KIAA0196) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014738	Producto génico de KIAA0195 (KIAA0195) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014640	Producto génico de KIAA0173 (KIAA0173) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014666	Producto génico de KIAA0171 (KIAA0171) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014641	Producto génico de KIAA0170 (KIAA0170) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014737	Familia de dominio de asociación a Ras (Ra1GDS/AF-6) 2 (RASSF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014770	Producto génico de KIAA0167 (KIAA0167) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014739	Producto génico de KIAA0164 (KIAA0164) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014865	Proteína asociada de SMC relacionada con condensación del cromosoma 1 (KIAA0159) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014748	Producto génico de KIAA0064 (KIAA0064) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014876	Producto génico de KIAA0063 (KIAA0063) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014764	Proteína asociada a DAZ 2 (DAZAP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014875	Producto génico de KIAA0042 (KIAA0042) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014642	Producto génico de KIAA0036 (KIAA0036) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015340	Leucil-ARNt sintetasa, mitocondrial (KIAA0028) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014634	Producto génico de KIAA0015 (KIAA0015) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014783	Producto génico de KIAA0013 (KIAA0013) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014008	Proteína JM1 (JM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014066	Proteína HT002; gen regulado por calcio relacionado con hipertensión (HT002) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014154	Proteína HSPC056 (HSPC056) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014153	Proteína HSPC055 (HSPC055) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014150	Proteína HSPC052 (HSPC052) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014149	Proteína HSPC049 (HSPC049) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014029	Proteína HSPC022 (HSPC022) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014027	Proteína HSPC018 (HSPC018) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014019	Proteína HSPC009 (HSPC009) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015372	Proteína hipotética (HSN44A4A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015343	Proteína hipotética (HSA011916) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014063	Proteína que contiene de homología 3 de src HIP-55 (HIP-55) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014052	Proteína GW128 (GW128) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014888	Proteína de osteoblasto prevista (GS3786) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014030	Interactor de cinasa receptora acoplada a proteína G 1 (GIT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014077	Proteína DKFZP586O0120 (DKFZP586O0120) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015425	Proteína DKFZP586M0122 (DKFZP586M0122) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015456	Proteína DKFZP586B0519 (DKFZP586B0519) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015393	Proteína DKFZP564O0823 (DKFZP564O0823) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015421	Proteína DKFZP564K2062 (DKFZP564K2062) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015415	Proteína DKFZP564B167 (DKFZP564B167) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015527	Proteína DKFZP434P1750 (DKFZP434P1750) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015458	Proteína DKFZP434K171 (DKFZP434K171) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015599	N-acetilglucosamina-fosfato mutasa (AGM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_015434	Proteína DKFZP434B168 (DKFZP434B168) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015699	Proteína hipotética (DJ159A19.3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015697	Proteína hipotética (CL640) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015702	Proteína hipotética (CL25022) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015703	Proteína CGI-96 (CGI-96) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015380	Proteína CGI-51 (CGI-51) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014143	Proteína B7-H1 (B7-H1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014062	Proteína ART-4 (ART-4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014596	Que contiene dominio de cinta de cinc, 1 (ZNRD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014519	Proteína de dedo de cinc 232 (ZNF232) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014437	Tipo transportador regulado por cinc/hierro (ZIRTL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015363	Dedo de cinc, impreso 2 (ZIM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014232	Proteína de membrana asociada a vesícula 2 (sinaptobrevina 2) (VAMP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014233	Factor de transcripción de unión en la dirección de 5', ARN polimerasa I (UBTF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014235	Tipo ubiquitina 4 (UBL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014383	Proteína de dedo de cinc de testículo (TZFP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014547	Tropomodulina 3 (ubicua) (TMOD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014548	Tropomodulina 2 (neuronal) (TMOD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014464	Antígeno de nefritis tubulointersticial (TIN-AG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014258	Proteína de complejo sinaptonémico 2 (SYCP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014370	Serina/treonina cinasa 23 (STK23) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014264	Serina/treonina cinasa 18 (STK18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014467	Proteína de repetición de sushi (SRPUL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014230	Partícula de reconocimiento de señal 68 kD (SRP68) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014320	Proteína de unión a hemo putativa (SOUL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014426	Nexina de clasificación 5 (SNX5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014311	Uracil ADN glucosilasa monofuncional selectiva monocatenaria (SMUG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014270	Familia de transportadores de solutos 7 (transportador de aminoácidos catiónicos, sistema y+), miembro 9 (SLC7A9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014252	Familia de transportadores de solutos 25 (transportador mitocondrial; transportador de ornitina) miembro 15 (SLC25A15) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014251	Familia de transportadores de solutos 25, miembro 13 (citrina) (SLC25A13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014442	Lectina tipo Ig de unión a ácido siálico 8 (SIGLEC8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014521	Proteína de unión a dominio SH3 4 (SH3BP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014554	Proteasa específica de sentrina/SUMO (SENP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014563	Displasia espondiloepifisaria, tardía (SEDL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014191	Canal de sodio, abierto por tensión, tipo VIII, polipéptido alfa (SCN8A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014139	Canal de sodio, abierto por tensión, tipo XII, polipéptido alfa (SCN12A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014363	Ataxia espástica de Charlevoix-Saguenay (sacsina) (SACS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM014285	Homólogo de 3'-5'-exoribonucleasa de RRP4 de levadura (4 de procesamiento por ARN ribosómico), (RRP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014496	Proteína S6 cinasa ribosómica, 90 kD, polipéptido 6 (RPS6KB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014245	Proteína de dedo de cinc 7 (RNF7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014372	Proteína de dedo de cinc 11 (RNF11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014314	ARN helicasa (RIG-I) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014470	Proteína de unión a GTP (RHO6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014248	Caja ring 1 (RBX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014226	Antígeno tumoral renal (RAGE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014488	RAB30, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB30) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014353	RAB26, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB26) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014410	Clusterina tipo 1 (retinal) (CLUL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015725	Fotoreceptor del segmento externo de all-trans retinol deshidrogenasa (PRRDH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005973	Carcinoma de células renales papilares (asociado a translocación) (PRCC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014337	Tipo peptidilprolil isomerasa (ciclofilina) 2 (PPIL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014348	Similar a glucoproteína integral de membrana de rata POM121 (POM121L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015720	Endoglucano (PODLX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014386	Enfermedad del riñón poliquístico 2 tipo 2 (PKD2L2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014390	Co-activador de EBNA-2 (100 kD) (p100) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014321	Tipo complejo de reconocimiento de origen, subunidad 6 (homólogo levadura) (ORC6L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014566	Receptor olfatorio, familia 1, subfamilia D, miembro 5 (OR1D5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014565	Receptor olfatorio, familia 1, subfamilia A, miembro 1 (OR1A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014352	Factor de transcripción POU (OCT11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014581	Proteína de unión a odorante 2B (OBP2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014582	Proteína de unión a odorante 2A (OBP2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014142	Motivo tipo nudix (resto ligado a nucleósido difosfato X) 5 (NUDT5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014502	Proteína de matriz celular NMP200 relacionada con factor de corte y empalme PRP19 (NMP200) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014328	Proteína nesca (NESCA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014222	Subcomplejo 1 alfa de NADH deshidrogenasa (ubiquinona), 8 (19 kD, PGIV) (NDUFA8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015678	Neurobeacina (NBEA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014461	Contactina 6 (CNTN6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014520	Proteína de unión a MYB (P160) 1a (MYBBP1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014221	Proliferación de linfocitos T maduros 1 (MTCP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005927	Proteína asociada a microfibrilar 3 (MFAP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014623	Antígeno potenciado en sexo masculino (MEA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014462	Proteína Lsm1 (LSM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014622	Pérdida de heterocigosidad, 11, región cromosómica 2, gen A (LOH11CR2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014240	Que contiene dominio LIM 1 (LIMD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014564	Proteína de caja homeótica LIM 3 (LHX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014553	Proteína LBP(LBP-9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014387	Conector para activación de linfocitos T (LAT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014379	Subunidad alfa de canal de potasio neuronal (KV8.1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014514	Receptor tipo inmunoglobulina de células asesinas, tres dominios, cola citoplásmica corta, 1 (KIR3DS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014513	Receptor tipo inmunoglobulina de células asesinas, dos dominios, cola citoplásmica corta, 5 (KIR2DS5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014512	Receptor tipo inmunoglobulina de células asesinas, dos dominios, cola citoplásmica corta, 1 (KIR2DS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014511	Receptor tipo inmunoglobulina de células asesinas, tres dominios, cola citoplásmica larga, 3 (KIR2DL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014219	Receptor tipo inmunoglobulina de células asesinas, tres dominios, cola citoplásmica larga, 2 (KIR2DL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014218	Receptor tipo inmunoglobulina de células asesinas, tres dominios, cola citoplásmica larga, 1 (KIR2DL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014765	Translocasa de homólogo de membrana mitocondrial externa 20 (levadura) (KIAA0016) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM.014406	Canal de potasio de gran conductancia activado por calcio, subfamilia M, tipo miembro beta 3 (KCNMB3L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014407	Canal de potasio de gran conductancia activado por calcio, subfamilia M, miembro beta 3 (KCNMB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014216	Inositol 1,3,4-trifosfato 5/6 cinasa (ITPK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014425	Inversina (INVS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014214	Inositol(mio)-1(o 4)-monofosfatasa 2 (IMPA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014271	Tipo proteína accesoria de receptor de interleucina 1 1 (ILIRAPL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014339	Receptor de interleucina 17 (IL17R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014443	Interleucina 17B (IL17B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014333	Superfamilia de inmunoglobulina, miembro 4 (IGSF4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014262	Proteína hipotética B (HSU47926) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014424	Familia de proteína del choque térmico de 27 kD, miembro 7 (cardiovascular) (HSPB7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014473	Dimetiladenosina transferasa putativa (HSA9761) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015370	Proteína hipotética (HS747E2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015371	Proteína hipotética (HS322B1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014345	Regulador endocrino (HRIHFB2436) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014255	Proteína transmembrana 4 (TMEM4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014257	Antígeno tipo CD209 (CD209L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014213	Caja homeótica D9 (HOXD9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014620	Caja homeótica C4 (HOXC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014212	Caja homeótica C11 (HOXC11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014260	Gen expresado en la región HLA clase II (HKE2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014356	Proteína HGC6.2 (HGC6.2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014354	Proteína HGC6.1.1 (HGC6.1.1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014571	Hairy/enhancer of split relacionado con el motivo tipo YRPW (HEYL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014606	Dominio hect y RLD 3 (HERC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015726	H326 (H326) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014619	Receptor de glutamato, ionotrópico, kainato 4 (GRIK4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014626	Receptor acoplado a proteína G 58 (GPR58) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014627	Receptor acoplado a proteína G 57 (GPR57) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014498	Proteína de membrana de Golgi tipo II (GPP 130) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014373	Receptor acoplado a proteína putativa (GPCR150) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014236	Gliceronefosfato O-aciltransferasa (GNPAT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015710	Gen de región candidata del supresor tumoral de glioma 2 (GLTSCR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015711	Gen de región candidata del supresor tumoral de glioma 1 (GLTSCR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015715	Fosfolipasa secretada por el grupo III (GIII-SPLA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014291	Glicina C-acetiltransferasa (2-amino-3-cetobutirato coenzima A ligasa) (GCAT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014364	Gliceraldehído-3-fosfato-deshidrogenasa, específica de testículo (GAPDS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015714	Gen de intercambio G0/G1 de linfocito putativo (G0S2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014489	Proteína de activación de receptor FGF 1 (FRAG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014585	Familia de transportadores de solutos 11 (transportadores de iones metálicos divalentes acoplados a protones), miembro 3 (SLC11A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014344	Ligando secretado putativo homólogo a fxx1 (FJX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014439	Superfamilia de interleucina-1 z (FILI(ZETA)) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014440	Superfamilia de interleucina-1 1 (FIL1(EPSILON)) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014438	Superfamilia de interleucina-1 e (FEL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014210	Sitio de integración vírico ecotrópico 2A (EVI2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014355	Enolasa alfa, específica de pulmón (ENO1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014600	Que contiene dominio EH 3 (EHD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014601	Que contiene dominio EH 2 (EHD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014503	Regulada por disminución en metástasis (DRIM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014549	Proteína DKFZp434P211 (DKFZP434P211) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014388	Proteína putativa novedosa similar a proteína hipotética de levadura YIL091C de 84 kD de SGA1-KTR7 (DJ434014.5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014618	Eliminado en la región candidata de cromosoma de cáncer de vejiga 1 (DBCCR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_014392	Proteína específica de neurona (D4S234E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004389	Catenina (proteína asociada a cadherina), alfa 2 (CTNNA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014343	Claudina 15 (CLDN15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014887	Proteína hipotética de región BCRA2 (CG005) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014207	Antígeno CD5 (p56-62) (CD5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014335	Marco de lectura abierto 3 del cromosoma 15 (C15ORF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014206	Marco de lectura abierto 10 del cromosoma 1 (C1orf10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014453	Marcador de adenocarcinoma de mama putativo (32 kD) (BC-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014382	ATPasa, transporte de Ca ⁺⁺ , tipo 2C, miembro 1 (ATP2C1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014570	Proteína activadora de GTPasa del factor de ribosilación de ADP 1 (ARF1GAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014278	Proteína del choque térmico (familia hsp110) (APG-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014495	Angiopoyetina tipo 3 (ANGPTL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004037	Adenosina monofosfato desaminasa 2 (isoforma L) (AMPD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014324	Alfa-metilacil-CoA racemasa (AMACR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014476	Proteína LIM asociada a alfa-actinina-2 (ALP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014423	Gen fusionado ALL1 l de 5q31 (AF5Q31) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014590	Familia retrovímica endógena W, env(C7), miembro 1 (sincitina) (ERVWE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014486	Proteína de hebra neuronal (AD7C-NTP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014384	Familia de acil-Coenzima A deshidrogenasa, miembro 8 (ACAD8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014274	Proteína de unión a Alu con dominio de dedo de cinc (ABP/ZF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_014444	Proteína de complejo de anillo de tubulina gamma (gen 76p) (76P) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007082	RAB, miembro de la familia oncogénica RAS tipo 2A (RABL2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013412	RAB, miembro de la familia oncogénica RAS tipo 2A (RABL2A) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_005036	Receptor activado proliferativo de peroxisoma, alfa (PPARA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000793	Desyodinasas, yodotironina, tipo II (DIO2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 2, ARNm
NM_013989	Desyodinasas, yodotironina, tipo II (DIO2) de <i>Homo sapiens</i> , variante de transcrito 1, ARNm
NM_004323	Atanógeno asociado a BCL2 (BAG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000156	Guanidinoacetato N-metiltransferasa (GAMT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002782	Beta-1-glucoproteína específica de embarazo 6 (PSG6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005523	Caja homeótica A11 (HOXA11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007050	Proteína tirosina fosfatasa, receptor tipo, T (PTPRT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006249	Subfamilia de proteína BstNI rica en prolina 3 (PRB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005529	Heparán sulfato proteoglucano 2 (perlecan) (HSPG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005187	Factor de unión a núcleo, dominio runt, subunidad alfa 2; translocada a, 3 (CBFA2T3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005565	Proteína citosólica de linfocitos 2 (proteína de leucocito que contiene dominio SH2 de 76 kD) (LCP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002298	Proteína citosólica de linfocitos 1 (L-plastina) (LCP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005190	Ciclina C (CCNC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005415	Familia de transportadores de solutos 20 (transportador de fosfato), miembro 1 (SLC20A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001040	Globulina de unión a hormona sexual (SHBG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002777	Proteinasa 3 (antígeno, serina proteinasa, neutrófilos, granulomatosis de Wegener) (PRTN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005199	Receptor colinérgico, nicotínico, polipéptido gamma (CHRNA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013936	Receptor olfatorio, familia 12, subfamilia D, miembro 2 (OR12D2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013937	Receptor olfatorio, familia 11, subfamilia A, miembro 1 (OR11A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013940	Receptor olfatorio, familia 10, subfamilia H, miembro 1 (OR10H1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013941	Receptor olfatorio, familia 10, subfamilia C, miembro 1 (OR10C1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013938	Receptor olfatorio, familia 10, subfamilia H, miembro 3 (OR10H3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013939	Receptor olfatorio, familia 10, subfamilia H, miembro 2 (OR10H2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013452	Carga variable, cromosoma X (VCX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013437	Posible supresor de tumor (ST7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013440	Receptor beta tipo inmunoglobulina apareada (PILRB(BETA)) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013439	Receptor alfa tipo inmunoglobulina apareada (PILRB(ALFA)) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013446	Makorina, proteína de dedo anular, 1 (MKRN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007267	Expresada en linfocitos T/LAK activados (LAK-4P) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013450	Bromodominio adyacente a dominio de dedo de cinc, 2B (BAZ2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013448	Bromodominio adyacente a dominio de dedo de cinc, 1A (BAZ1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000033	Casete de unión a ATP, sub-familia D (ALD), miembro 1 (ABCD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002593	Potenciador de procolágeno C-endopeptidasa (PCOLCE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004504	Proteína de unión a VIH-1 Rev (HRB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004131	Granzima B (granzima 2, serina esterasa asociada a linfocito T citotóxico 1) (GZMB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000791	Dihidrofolato reductasa (DHFR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004335	Antígeno de célula estromal de médula ósea 2 (BST2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001197	Asesino (inductor de apoptosis) de interacción con BCL2 (BIK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000487	Arilsulfatasa A (ARSA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004597	Polipéptido D2 de ribonucleoproteína nuclear pequeña (16,5 kD) (SNRPD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006194	Gen caja apareada 9 (PAX9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013330	NME7 (NME7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012476	Caja homeótica ventral anterior 2 (VAX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012253	Transcetolasa tipo 1 (TKTL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012268	Similar a HindIII K4L ORF de virus de la variolovacuna (HU-K4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002017	Integración 1 del virus de la leucemia de Friend (FLU) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006769	Sólo dominio LIM 4 (LMO4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002260	Receptor tipo lectina de linfocito citolítico, subfamilia C, miembro 2 (KLRC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005317	Granzima M (met-asa linfocítica 1) (GZMM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004417	Fosfatasa de especificidad dual 1 (DUSP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012125	Receptor colinérgico, muscarínico 5 (CHRM5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001236	Carbonil reductasa 3 (CBR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013343	Proteína NAG-7 (NAG-7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013344	Proteína tipo cremallera de leucina (LZLP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013236	Tipo proteína de cerebro de ratón E46 (E46L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013380	Proteína de dedo de cinc 228 (ZNF228) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013362	Proteína de dedo de cinc 225 (ZNF225) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013398	Proteína de dedo de cinc 224 (ZNF224) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013361	Proteína de dedo de cinc 223 (ZNF223) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013360	Proteína de dedo de cinc 222 (ZNF222) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013359	Proteína de dedo de cinc 221 (ZNF221) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013250	Proteína de dedo de cinc 215 (ZNF215) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_013249	Proteína de dedo de cinc 214 (ZNF214) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013256	Proteína de dedo de cinc 180 (HHZ168) (ZNF180) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013371	Interleucina 19 (IL19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013403	Zinedinq (ZIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013378	Gen 3 de linfocito pre-B (VPREB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013270	Proteasa específica de testículo 50 (TSP50) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013381	Ectoenzima degradadora de la hormona liberadora de tirotrópina (TRHDE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013315	Fosfatasa transmembrana con homología a tensina (TPTE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013353	Tropomodulina 4 (músculo) (TMOD4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013390	Proteína transmembrana 2 (TMEM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013319	Proteína de respuesta del epitelio de transición (TERE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013254	Cinasa de unión a TANK 1 (TBK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013309	Familia de transportadores de solutos 30 (transportador de cinc), miembro 4 (SLC30A4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013356	Transportador de monocarboxilato 3 (SLC16A8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013257	Tipo cinasa regulada por suero/glucocorticoides (SGKL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013376	Proteína de unión a CDK4 p34SEI1 (SEI1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013243	Secretogranina III (SCG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013352	Antígeno de carcinoma de células escamosas reconocido por linfocito T (SART-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013401	Tipo proteína de interacción con RAB3A (rabin3) 1 (RAB3IL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013237	Proteína tipo px19 (PX19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013261	Coactivador 1 del receptor gamma activado por proliferador de peroxisomas, (PPARGC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013268	Proteína placentaria 13 (PP13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013382	Proteína O-manosiltransferasa putativa (POMT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013232	Muerte programada celular 6 (PDCD6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013397	Proteína de tumor de mama expresada en exceso (OBTP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013389	Tipo NPC1 (gen de la enfermedad de Niemann-Pick tipo C1) 1 (NPC1L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013326	Proteína Mic1 asociada a cáncer de colon (MIC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013238	Que contiene el dominio DNAJ (MCJ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013269	Receptor de célula NK tipo lecitina (LLT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_013289	Receptor tipo inmunoglobulina de linfocito citotóxico, tres dominios, cola citoplasmática larga, 1 (KIR3DL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013311	Factor en la dirección 5' de insulina 1 (IUF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013278	Interleucina 17C (IL17C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013292	Cadena ligera de miosina 2 (HUMMLC2B) (clon PWHLC2-24) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013288	Proteína de unión a ADN para proteína B surfactante (HUMBINDC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013244	Homólogo de UDP-N-acetilglucosamina:a-1,3-D-manósido beta-1,4-N-acetilglucosaminiltransferasa IV (HGNT-IV-H) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013264	ARN helicasa testicular regulada por gonadotropina (GRTH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013281	Proteína transmembrana rica en leucina de fibronectina 3 (FLRT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013231	Proteína transmembrana rica en leucina de fibronectina 2 (FLRT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013241	Proteína que contiene el dominio FH1/FH2 (FHOS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013342	Pareja de fusión TCF3 (E2A) (en leucemia infantil) (TFPT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013246	Citocina tipo cardiotropina; factor estimulante de neurotrofina-1/linfocitos B 3 (CLC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013372	Superfamilia de nudo de cisteína 1, antagonista BMP 1 (CKTSF1B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013327	Proteína CGI-56 (CGI-56) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013230	Antígeno CD24 (antígeno del grupo 4 de carcinoma de pulmón de células pequeñas) (CD24) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013276	Cinasa tipo hidrato de carbono (CARKL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_013399	Fase de lectura abierta 5 del cromosoma 16 (C16orf5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006765	Supresor putativo de tumor de cáncer de próstata (N33) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006792	Factor de mortalidad 4 (MORF4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000397	Citocromo b-245, polipéptido beta (enfermedad granulomatosa crónica) (CYBB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005098	Musculina (factor-1 activado por linfocitos B) (MSC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006144	Granzima A (granzima 1, serina esterasa 3 asociada a linfocitos T citotóxicos) (GZMA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002047	Glicil-ARNt sintetasa (GARS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004405	Caja homeótica "distal-less" 2 (DLX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004371	Complejo de proteínas coatómeras, subunidad alfa (COPA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005181	Anhidrasa carbónica III, específica de músculo (CA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001663	Factor de ribosilación de ADP 6 (ARF6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001662	Factor de ribosilación de ADP 5 (ARF5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001660	Factor de ribosilación de ADP 4 (ARF4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001658	Factor de ribosilación de ADP 1 (ARF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000492	Regulador de la conductancia transmembrana de la fibrosis quística, casete de unión a ATP (sub-familia C, miembro 7) (CFTR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003560	Fosfolipasa A2, grupo VI (citósólica, independiente de calcio) (PLA2G6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004004	Proteína de unión comunicante, beta 2, 26 kD (conexina 26) (GJB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005198	Cinasa tipo colina (CHKL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012482	Proteína de dedo de cinc 281 (ZNF281) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012256	Proteína de dedo de cinc 212 (ZNF212) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012479	Proteína de activación de tirosina 3-monooxigenasa/triptófano 5-monooxigenasa, polipéptido gamma (YWHAG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012255	5'-3' exoribonucleasa 2 (XRN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012474	Uridina monofosfato cinasa (UMPK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012473	Tiorredoxina, mitocondrial (TXN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012466	Tetraspanina TM4-B (TM4-B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012465	Tipo toloide 2 (TLL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012464	Tipo toloide 1 (TLL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012290	Cinasa tipo tousled 1 (TLK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012455	Homólogo de SEC7 (TIC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012454	Invasión y metástasis de linfoma de linfocitos T 2 (TIAM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012251	Factor de transcripción A, mitocondrial (TFAM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012451	Sinaptogirina 4 (SYNGR4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012448	Transductor de señales y activador de la transcripción 5B (STAT5B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012447	Antígeno estromal 3 (STAG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012445	Espondina 2, proteína de matriz extracelular (SPON2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012443	Antígeno asociado a esperma 6 (SPAG6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012244	Familia de transportadores de soluto 7 (transportador de aminoácidos catiónicos, sistema y+), miembro 8 (SLC7A8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012243	Familia de transportadores de soluto 35 (transportador de UDP-N-acetilglucosamina (UDP-GlcNAc)), miembro 3 (SLC35A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_012434	Familia de transportadores de soluto 17 (transportador de anión/azúcar), miembro 5 (SLC17A5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012432	Dominio SET, bifurcado 1 (SETDB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012427	Calicreína 5 (KLK5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012236	Homólogo 1 de "sex comb on midleg" (SCMH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012424	Proteína S6 cinasa ribosómica, 52 kD, polipéptido 1 (RPS6KC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012421	Secuencia de fusión L-myc reordenada (RLF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012415	RAD54, <i>S. cerevisiae</i> , homólogo de, B (RAD54B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012410	Receptor transmembrana tipo I (proteína relacionada con "seizure") (PSK-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012409	Complejo de genes priónicos, en la dirección 3' (PRND) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012402	Pareja de RAC1 (arfaptina 2) (POR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012400	Fosfolipasa A2, grupo IID (PLA2G2D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012399	Proteína de transferencia de fosfatidilinositol, beta (PITPNB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012088	6-Fosfogluconolactonasa (PGLS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012395	PFTAIRE Proteína cinasa 1 (PFTK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012391	Factor de transcripción Ets específico de epitelio de próstata (PDEF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012385	Proteína p8 (candidata de metástasis 1) (P8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012383	Factor estimulantes de osteoclastos 1 (OSTF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012375	Receptor olfativo, familia 52, subfamilia A, miembro 1 (OR52A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012368	Receptor olfativo, familia 2, subfamilia C, miembro 1 (OR2C1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012360	Receptor olfativo, familia 1, subfamilia F, miembro 8 (OR1F8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012352	Receptor olfativo, familia 1, subfamilia A, miembro 2 (OR1A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012351	Receptor olfativo, familia 10, subfamilia J, miembro 1 (OR10J1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012345	Proteína de interacción con proteína de retraso mental X frágil nuclear 1 (NUFIP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012344	Receptor de neurotensina 2 (NTSR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012343	Nicotinamida nucleótido transhidrogenasa (NNT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012342	Proteína transmembrana putativa (NMA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012337	Proteína específica de epitelio nasofaríngeo 1 (NESG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012330	Histona acetiltransferasa (MORF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012064	Proteína intrínseca mayor de la fibra del cristalino (MIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_012214	Manosil (alfa-1,3-)-glucoproteína beta-1,4-N-acetilglucosaminiltransferasa, isoenzima A (MGAT4A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012213	Malonil-CoA descarboxilasa (MLYCD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012325	Proteína asociada a microtúbulos, familia RP/EB, miembro 1 (MAPRE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012318	Proteína transmembrana que contiene cremallera de leucina-mano EF 1 (LETM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012317	Cremallera de leucina, regulada por disminución en cáncer 1 (LDOC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012314	Receptor tipo inmunoglobulina de linfocito citotóxico, dos dominios, cola citoplasmática corta, 4 (KIR2DS4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012313	Receptor tipo inmunoglobulina de linfocito citotóxico, dos dominios, cola citoplasmática corta, 3 (KIR2DS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012312	Receptor tipo inmunoglobulina de linfocito citotóxico, dos dominios, cola citoplasmática corta, 2 (KIR2DS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012307	Expresada diferencialmente en adenocarcinoma de pulmón (KIAA0987) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012306	Salvavidas (KIAA0950) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012302	Latrofilina (KIAA0786) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012295	Proteína de unión a calcineurina 1 (KIAA0330) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012288	Proteína tipo TRAM (KIAA0057) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012286	Gen X relacionado con MORF (KIAA0026) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012283	Canal de potasio dependiente de voltaje, subfamilia G, miembro 2 (KCNG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012282	Canal de potasio dependiente de voltaje, familia relacionada con Isk, tipo miembro 1 (KCNE1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012278	Proteína de unión a integrina beta 1 (melusina) 2 (ITGB1BP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012211	Integrina, alfa 1I (ITGA11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012277	Factor de crecimiento de células beta pancreáticas (INGAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012275	Homólogo del antagonista de receptor de interleucina-1 1 (IL1HY1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012259	Motivo 2 de YRPW relacionado con "hairy/enhancer of split" (HEY2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012258	Motivo 1 de YRPW relacionado con "hairy/enhancer of split" (HEY1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012257	Proteína que contiene la caja HMG 1 (HBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012087	Factor de transcripción general IIC, polipéptido 5 (63 kD) (GTF3C5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012203	Glioxilato reductasa/hidroxipiruvato reductasa (GRHPR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012202	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), gamma 3 (GNG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_012084	Glutamato deshidrogenasa-2 (GLUD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012191	Supresor putativo de tumor (FUS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012185	Caja forkhead E2 (FOXE2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012183	Caja forkhead D3 (FOXD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012153	Factor homólogo de Ets (EHF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012080	Segmento de ADN, numerosas copias, sondas expresadas (gen GS1) (DXF68S1E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012148	Caja homeótica doble, 3 (DUX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012147	Caja homeótica doble, 2 (DUX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012145	Desoxitimidilato cinasa (timidilato cinasa) (DTYMK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012144	Dineína, axonémica, polipéptido intermedio, 1 (DNAI1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012140	Familia de transportadores de soluto 25 (transportador mitocondrial; transportador de dicarboxilato), miembro 10 (SLC25A10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012137	Dimetilarginina dimetilaminohidrolasa 1 (DDAH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012134	Leiomodina 1 (músculo liso) (LMOD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012133	Complejo de proteínas coatómeras, subunidad gamma 2 (COPG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012132	Claudina 8 (CLDN8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012131	Claudina 17 (CLDN17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012130	Claudina 14 (CLDN14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012129	Claudina 12 (CLDN12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012127	Proteína de dedo de cinc de interacción con Cip1 (CIZ1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012126	Hidrato de carbono (N-acetilglucosamina 6-O) sulfotransferasa 5 (CHST5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012075	Gen conservado telomérico para el grupo de globina alfa (CGTHBA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012122	Carboxilesterasa 3 (cerebro) (CES3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012116	Secuencia transformante retroviral ectrópica de Cas-Br-M (murina) c (CBLC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012113	Anhidrasa carbónica XIV (CA14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012071	Proteína BUP (BUP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012110	Dominio hidrófobo rico en cisteína 2 (CHIC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012109	Proteína anclada a la membrana específica de cerebro (BSMAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012107	Homólogo humano de la proteína que contiene bromodominio de 75 kDa (BP75) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_012104	Enzima de escisión de APP en el sitio beta (BACE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012105	Enzima de escisión de APP en el sitio beta 2 (BACE2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012103	Proteína ubicua antigua 1 (AUP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012102	Repeticiones de dipéptido arginina-ácido glutámico (RE) (RERE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012099	Proteína asociada a CD3-épsilon; antisentido hacia ERCC-1 (ASE-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012098	Tipo angiopoyetina 2 (ANGPTL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012067	Familia de aldo-ceto reductasa 7, miembro A3 (aflatoxina aldehído reductasa) (AKR7A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012093	Adenilato cinasa 5 (AK5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_012066	Proteína hipotética (20D7-FC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006276	Factor de corte y empalme, rico en arginina/serina 7 (35 kD) (SFRS7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007054	Miembro de la familia de las quinesinas 3A (KIF3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002201	Gen estimulado por interferón (20 kD) (ISG20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007274	Acil coenzima A tioéster hidrolasa citosólica (HBACH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004174	Familia de transportadores de soluto 9 (intercambiador de sodio/hidrógeno), isoforma 3 (SLC9A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
iNM_004525	Proteína relacionada con lipoproteína de baja densidad 2 (LRP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003129	Escualeno epoxidasa (SQLE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003628	Placofilina 4 (PKP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003734	Amina oxidasa, que contiene cobre 3 (proteína de adhesión vascular 1) (AOC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003322	Proteína tipo tubby 1 (TULP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002747	Proteína cinasa activada por mitógeno 4 (MAPK4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002078	Autoantígeno del golgi, subfamilia de golgina a, 4 (GOLGA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006421	Proteína 1 de intercambio de nucleótidos de guanina inhibida por brefeldina A (BIG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004282	Atanógeno 2 asociado a BCL2 (BAG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004304	Cinasa de linfoma anaplásico (Ki-1) (ALK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001626	Homólogo 2 del oncogén del virus de timoma murino v-akt (AKT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000686	Receptor de angiotensina 2 (AGTR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006287	Inhibidor de la vía del factor tisular (inhibidor de la coagulación asociado a lipoproteína) (TFPI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000944	Proteína fosfatasa 3 (antiguamente 2B), subunidad catalítica, isoforma alfa (calcineurina A alfa) (PPP3CA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001142	Amelogenina (cromosoma X, amelogénesis imperfecta 1) (AMELX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001171	Casete de unión a ATP, sub-familia C (CFTR/MRP), miembro 6 (ABCC6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007351	Multimerina (MMRN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007355	Proteína de choque térmico de 90 kD 1, beta (HSPCB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007354	Proteína GR6 putativa (GR6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007353	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G) alfa 12 (GNA12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007366	Receptor 1 de fosfolipasa A2, 180 kD (PLA2R1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007350	Dominio de homología a pleckstrina, familia A, miembro 1 (PHLDA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007364	Proteína integral tipo I (P24B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007342	Proteína tipo nucleoporina 1 (NLP_1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007361	Nidógeno 2 (NID2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007341	Proteína rica en ácido glutámico de unión a dominio SH3 (SH3BGR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007370	Factor de replicación C (activador 1) 5 (36,5 kD) (RFC5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007348	Factor de transcripción activador 6 (ATF6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004850	Proteína cinasa que contiene superhélice asociada a Rho 2 (ROCK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005574	Sólo dominio LIM 2 (tipo rombotina 1) (LMO2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006094	Delecionado en cáncer de hígado 1 (DLC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003658	Caja homeótica tipo BarH 2 (BARX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004209	Sinaptogirina 3 (SYNGR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004879	ARNm inducido por etopósido (PIG8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005385	Secuencia de reconocimiento de tumor de linfocitos citolíticos naturales (NKTR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005957	5,10-Metilentetrahidrofolato reductasa (NADPH) (MTHFR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002248	Canal de potasio activado por calcio de conductancia intermedia/baja, subfamilia N, miembro 1 (KCNN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001563	Proteoglucano de matriz del interfotorreceptor 1 (IMPG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005266	Proteína de unión comunicante, alfa 5, 40 kD (conexina 40) (GJA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001874	Carboxipeptidasa M (CPM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007332	Tipo anquirina con dominios transmembrana 1 (ANKTM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003313	Antígeno de trasplante específico de tejido P35B (TSTA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001494	Inhibidor de la disociación de GDP 2 (GDI2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001607	Acetil-Coenzima A aciltransferasa 1 (3-oxoacil-Coenzima A tiolasa peroxisómica) (ACAA1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_003145	Receptor de secuencias señal, beta (proteína beta asociada a translocón) (SSR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000852	Glutación S-transferasa pi (GSTP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000827	Receptor de glutamato, ionotrópico, AMPA 1 (GRIA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005252	Homólogo de oncogén del virus de osteosarcoma murino v-fos FBJ (FOS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005803	Flotilina 1 (FLOT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004459	Antígeno de Alzheimer fetal (FALZ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004081	Delecionado en azoospermia (DAZ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004055	Calpaína 5 (CAPN5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004042	Arlsulfatasa F (ARSF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003085	Sinucleína, beta (SNCB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000612	Factor de crecimiento tipo insulina 2 (somatomedina A) (IGF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006995	Butirofilina, subfamilia 2, miembro A2 (BTN2A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005739	Proteína liberadora de guanilo RAS 1 (regulada por calcio y DAG) (RASGRP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006267	Proteína de unión a RAN 2 (RANBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002882	Proteína de unión a RAN 1 (RANBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003884	Factor asociado a p300/CBP (PCAF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005258	Proteína reguladora por retroalimentación de GTP ciclohidrolasa I (GCHFR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001130	Enhacer of Split del extremo amino (AES) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001099	Fosfatasa ácida, próstata (ACPP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005155	Palmitoil proteína tioesterasa 2 (PPT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006898	Caja homeótica D3 (HOXD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006894	Monooxigenasa que contiene flavina 3 (FMO3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004111	Endonucleasa específica de estructuras tridimensionales 1 (FEN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001828	Proteína cristalina de Charot-Leyden (CLC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007315	Transductor de señales y activador de la transcripción 1, 91 kD (STAT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005005	Subcomplejo 1 beta de NADH deshidrogenasa (ubiquinona), 9 (22 kD, B22) (NDUFB9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003362	Uracil-ADN glucosilasa (UNG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005221	Caja homeótica "distal-less" 5 (DLX5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000479	Hormona antimulleriana (AMH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005160	Cinasa receptora beta adrenérgica 2 (ADRBK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001619	Cinasa receptora beta adrenérgica 1 (ADRBK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001611	Fosfatasa ácida 5, resistente a tartrato (ACP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003403	Factor de transcripción YY1 (YY1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003793	Catepsina F (CTSF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001922	Dopacromo tautomerasa (dopacromo delta isomerasa, proteína relacionada con tirosina 2) (DCT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006412	1-Acilglicerol-3-fosfato O-aciltransferasa 2 (ácido lisofosfatídico aciltransferasa, beta) (AGPAT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000810	Ácido gamma-aminobutírico (GABA) receptor A, alfa 5 (GABRA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000430	Acetilhidrolasa del factor activador de plaquetas, isoforma Ib, subunidad alfa (45 kD) (PAFAH1B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003006	Ligando de la selectina P (SELPLG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002634	Prohibitina (PHB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002410	Manosil (alfa-1,6-)-glucoproteína beta-1,6-N-acetil-glucosaminiltransferasa (MGAT5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002409	Manosil (beta-1,4-)-glucoproteína beta-1,4-N-acetilglucosaminiltransferasa (MGAT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm,
NM_002408	Manosil (alfa-1,6-)-glucoproteína beta-1,2-N-acetilglucosaminiltransferasa (MGAT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002406	Manosil (alfa-1,3-)-glucoproteína beta-1,2-N-acetilglucosaminiltransferasa (MGAT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005923	Proteína cinasa cinasa cinasa activada por mitógeno 5 (MAP3K5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002225	Isovaleril Coenzima A deshidrogenasa (IVD) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_001480	Receptor de galanina 1 (GALR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001992	Receptor del factor de coagulación II (trombina) (F2R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000677	Receptor de adenosina A3 (ADORA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002969	Proteína cinasa activada por mitógeno 12 (MAPK12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001526	Receptor de hipocretina (orexina) 2 (HCRTR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003605	N-acetilglucosamina con enlace O-glucosídico (GlcNAc) transferasa (UDP-N-acetilglucosamina: polipéptido-N-acetilglucosaminil transferasa) (OGT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000885	Integrina, alfa 4 (antígeno CD49D, subunidad alfa 4 del receptor VLA-4) (ITGA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003197	Factor de elongación de la transcripción B (SIII), tipo polipéptido 1 (TCEB1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006183	Neurotensina (NTS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002524	Homólogo de oncogén del virus del neuroblastoma RAS (v-ras) (NRAS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002478	Factor miogénico 3 (MYOD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002451	Metiltioadenosin fosforilasa (MTAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002436	Proteína de membrana, palmitoilada 1 (55 kD) (MPP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002377	Oncogén MAS1 (MAS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002305	Lectina, unión a galactósido, soluble, 1 (galectina 1) (LGALS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000887	Integrina, alfa X (antígeno CD11C (p150), polipéptido alfa) (ITGAX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000419	Integrina, alfa 2b (glucoproteína plaquetaria IIb del complejo IIb/IIIa, antígeno CD41B) (ITGA2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002203	Integrina, alfa 2 (CD49B, subunidad alfa 2 del receptor VLA-2) (ITGA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003637	Integrina, alfa 10 (ITGA10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000843	Receptor de glutamato, metabotrópico 6 (GRM6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000838	Receptor de glutamato, metabotrópico 1 (GRM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000835	Receptor de glutamato, ionotrópico, N-metil D-aspartato 2C (GRIN2C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000834	Receptor de glutamato, ionotrópico, N-metil D-aspartato 2B (GRIN2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000833	Receptor de glutamato, ionotrópico, N-metil D-aspartato 2A (GRIN2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002084	Glutación peroxidasa 3 (Plasma) (GPX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000805	Gastrina (GAS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001940	Atrofia dentatorubral-palidoluisiana (atrofina-1) (DRPLA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001219	Calumenina (CALU) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007155	Glucoproteína de la zona pelúcida 3A (receptor de esperma) (ZP3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007136	Proteína de dedo de cinc 80 (PT17) (ZNF80) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007250	Factor tipo Kruppel 8 (KLF8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007167	Proteína de dedo de cinc 258 (ZNF258) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_007153	Proteína de dedo de cinc 208 (ZNF208) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007152	Proteína de dedo de cinc 195 (ZNF195) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007150	Proteína de dedo de cinc 185 (dominio LIM) (ZNF185) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007147	Proteína de dedo de cinc 175 (ZNF175) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007145	Proteína de dedo de cinc 146 (ZNF146) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007127	Vilina 1 (VIL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007125	Gen con repetición de tetratricopéptidos transcrito ubicuamente, cromosoma Y (UTY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007124	Utrofina (homóloga a distrofina) (UTRN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007122	Factor de transcripción en la dirección 5' 1 (USF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007120	Familia de la UDP glucosiltransferasa 2, polipéptido B (UGT2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007106	Tipo ubiquitina 3 (UBL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007118	Triple dominio funcional (que interacciona con PTPRF) (TRIO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007117	Hormona liberadora de tirotropina (TRH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007218	Proteína relacionada con patched translocada en el cáncer renal (TRC8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007233	Gen diana TP53 1 (TP53TG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007114	Factor modulador de elemento TATA 1 (TMF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007112	Trombospondina 3 (THBS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007111	Factor de transcripción Dp-1 (TFDP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007109	Factor de transcripción 19 (SC1) (TCF19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007108	Factor de elongación de la transcripción B (SIII), polipéptido 2 (18 kD, elongina B) (TCEB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007105	Familia de transportadores de soluto 22 (transportador de cationes orgánicos), tipo miembro 1, antisentido (SLC22A1LS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007163	Familia de transportadores de soluto 14 (transportador de urea), miembro 2 (SLC14A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007101	Sarcosina deshidrogenasa (SARDH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007165	Factor de corte y empalme 3a, subunidad 2, 66 kD (SF3A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007252	Factor del dominio POU derivado de retina 1 (RPF-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007273	Proteína asociada a linfocitos B (REA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007195	Polimerasa (dirigida a ADN) iota (POLI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007284	Tipo proteína tirosina cinasa 9 (proteína relacionada con A6) (PTK9L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_007196	Calicreína 8 (neuropsina/ovasina) (KLK8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007171	Proteína -O-manosiltransferasa 1 (POMT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007215	Polimerasa (dirigida a ADN), gamma 2, subunidad accesoria (POLG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007254	Polinucleótido cinasa 3'-fosfatasa (PNKP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007221	Factor modulado por poliamina 1 (PMF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007183	Placofilina 3 (PKP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007169	Fosfatidiletanolamina N-metiltransferasa (PEMT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007229	Sustrato de proteína cinasa C y caseína cinasa en neuronas 2 (PACSIN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007190	Proteína de interacción con Sec23 p125 (P125) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007160	Receptor olfativo, familia 2, subfamilia H, miembro 3 (OR2H3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007256	Familia de transportadores de soluto 21 (transportador de aniones orgánicos), miembro 9 (SLC21A9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007172	Nucleoporina de 50 kD (NUP50) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007103	NADH deshidrogenasa (ubiquinona) flavoproteína 1 (51 kD) (NDUFV1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007181	Proteína cinasa cinasa cinasa cinasa activada por mitógeno 1 (MAP4K1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007230	Manosidasa, alfa, clase 1B, miembro 1 (MAN1B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007164	Molécula de adhesión celular de adreína vascular mucosa 1 (MADCAM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007216	Proteína de unión a alfa integrina 63 (KIAA1017) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007213	Proteína JM4 (JM4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007102	Activador de la guanilato ciclasa 2B (uroguanilina) (GUCA2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007227	Receptor acoplado a proteína G 45 (GPR45) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007275	Candidato de cáncer de pulmón (FUS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007262	Subunidad reguladora de proteína de unión a ARN (DJ-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007166	Gen de la leucemia linfocitoide-mielocitoide de ensamblaje de clatrina (CLTH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007186	Proteína centrosómica 2 (CEP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006585	TCPI que contiene chaperonina, subunidad 8 (theta) (CCT8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007185	Que contiene repeticiones de trinucleótidos 4 (TNRC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007220	Anhidrasa carbónica VB, mitocondrial (CA5B) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_007100	ATP sintasa, transporte de H ⁺ , complejo F0 mitocondrial, subunidad e (ATP51) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_007231	Familia de transportadores de soluto 6 (transportador de neurotransmisores), miembro 14 (SLC6A14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007203	Proteína de anclaje de A cinasa (PRKA) 2 (AKAP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007202	Proteína de anclaje de A cinasa (PRKA) 10 (AKAP10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007168	Casete de unión a ATP, sub-familia A (ABC1), miembro 8 (ABCA8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000506	Factor de coagulación II (trombina) (F2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004343	Calreticulina (CALR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006736	Proteína de choque térmico, tipo DNAJ neuronal 1 (HSJ1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006553	Factor de diferenciación y desnucleación eritroide 1 (HFL-EDDG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006984	Claudina 10 (CLDN10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005502	Casete de unión a ATP, sub-familia A (ABC1), miembro 1 (ABCA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005809	Peroxirredoxina 2 (PRDX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006977	Proteína de dedo de cinc 46 (KUP) (ZNF46) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006965	Proteína de dedo de cinc 24 (KOX 17) (ZNF24) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006963	Proteína de dedo de cinc 22 (KOX 15) (ZNF22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006978	Proteína de dedo de cinc 183 (dedo RING, tipo C3HC4) (ZNF183) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006953	Uroplaquina 3 (UPK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006952	Uroplaquina 1B (UPK1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006951	Factor asociado a proteína de unión a caja TATA (TBP), ARN polimerasa II, D, 100 kD (TAF2D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006950	Sinapsina 1 (SYN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007056	Supresor de homólogo de white apricot 2 (SWAP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006949	Proteína de unión a syntaxina 2 (STXBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006948	Proteína chaperona del estrés 70, asociada a microsoma, 60 kD (STCH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006946	Espectrina, beta, no-eritrocítica 2 (SPTBN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006945	Proteína rica en prolina pequeña 2B (SPRR2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006944	Fosfoproteína secretada 2, 24 kD (SPP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007009	Proteína de unión a zona pelúcida (SP38) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006940	SRY (región determinante del sexo Y)-caja 5 (SOX5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007017	SRY (región determinante del sexo Y)-caja 30 (SOX30) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006943	SRY (región determinante del sexo Y)-caja 22 (SOX22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_007084	SRY (región determinante del sexo Y)-caja 21 (S0X21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006942	SRY (región determinante del sexo Y)-caja 20 (SOX20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006941	SRY (región determinante del sexo Y)-caja 10 (SOX10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006934	Familia de transportadores de soluto 6 (transportador de neurotransmisores, glicina), miembro 9 (SLC6A9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006933	Familia de transportadores de soluto 5 (transportadores de inositol), miembro 3 (SLC5A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006931	Familia de transportadores de soluto 2 (transportador de glucosa facilitado), miembro 3 (SLC2A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006930	Proteína asociada a cinasa de fase S 1A (P19A) (SKP1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006925	Factor de corte y empalme, rico en arginina/serina 5 (SFRS5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006924	Factor de corte y empalme, rico en arginina/serina 1 (factor de corte y empalme 2, factor de corte y empalme alternativo) (SFRS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006917	Receptor X retidoide, gamma (RXRG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006987	Tipo rabfilina 3A (sin dominios C2) (RPH3AL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007055	Polimerasa (ARN) III (dirigida a ADN) (155 kD) (RPC155) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006915	Retinitis pigmentosa 2 (recesiva ligada a X) (RP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006914	Receptor huérfano B relacionado con RAR (RORB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006913	Proteína de dedo anular 5 (RNF5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006911	Relaxina 1 (H1) (RLN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007043	Proteína 2 de unión a rev de VIH-1 (HRB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007033	Tipo RER1 de <i>S. cerevisiae</i> (RER1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007081	RAB, tipo miembro de la familia del oncogén RAS 2B (RABL2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006905	Glucoproteína beta-1 específica del embarazo 1 (PSG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007016	Proteína tipo yhdg de <i>E. coli</i> y nifR3 de <i>R. capsulatus</i> (PP35) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007024	Proteína PL6 (PL6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007030	Proteína específica de cerebro p25 alfa (P25) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006901	Miosina IXA (MYO9A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007075	Proteína JM5 (JM5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007003	Proteína JM27 (JM27) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006899	Isocitrato deshidrogenasa 3 (NAD+) beta (IDH3B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007031	Proteína de unión a factor de transcripción de choque térmico 2 (HSF2BP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_007011	Proteína transmembrana putativa (HS1-2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006896	Caja homeótica A7 (HOXA7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007045	Pareja de oncogén de FGFR1 (FOP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007051	Factor asociado a Fas (TNFRSF6) 1 (FAF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006979	Gen expresado en la región HLA clase II KE4 (HKE4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007015	Precursor de condromodulina I (CHM-I) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006890	Molécula de adhesión celular relacionada con el antígeno carcinoembrionario 7 (CEACAM7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007018	Proteína centrosómica 1 (CEP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006889	Antígeno CD86 (ligando de antígeno CD28 2, antígeno B7-2) (CD86) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006982	Homeoproteína de clase cartílago emparejado 1 (CART1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007058	Calpaína 11 (CAPN11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006888	Calmodulina 1 (fosforilasa cinasa, delta) (CALM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007047	Butirofilina, subfamilia 3, miembro A2 (BTN3A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007048	Butirofilina, subfamilia 3, miembro A1 (BTN3A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006992	Proteína B7 (B7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006885	Factor de transcripción de unión a AT 1 (ATBF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_007022	Supresor de tumor putativo (101F6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006697	Asociada a la resistencia a cisplatino (CRA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006826	Proteína de activación de tirosina 3-monooxigenasa/triptófano 5-monooxigenasa, polipéptido theta (YWHAQ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006761	Proteína de activación de tirosina 3-monooxigenasa/triptófano 5-monooxigenasa, polipéptido épsilon (YWHAE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006784	Dominio de repetición de WD 3 (WDR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006846	Inhibidor de serina proteasa, tipo Kazal, 5 (SPINK5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006830	Subunidad de la ubiquinol-citocromo c reductasa (6,4 kD) (UQCR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006798	UDP glucosiltransferasa, familia 2, polipéptido A1 (UGT2A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006757	Troponina T3, esquelética, rápida (TNNT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006827	Proteína de tráfico transmembrana (TMP21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006853	Calicreína 11 (KLK11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006811	Expresado diferencialmente en el tumor 1 (TDE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006756	Factor de elongación de la transcripción A (SII), 1 (TCEA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006024	Proteína 1 de unión a Tax 1 (virus de la leucemia humana de linfocitos T tipo I) (TAX1BP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006752	Surfeit 5 (SURF5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006819	Fosfoproteína inducida por el estrés 1 (Hsp70/Hsp90- proteína organizadora) (STIP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006780	SMA3 (SMA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006749	Familia de transportadores de soluto 20 (transportador de fosfato), miembro 2 (SLC20A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006747	Gen asociado a la proliferación inducida por señales 1 (SEPA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006873	Factor tipo stoned B/TFIIA-alfa/beta (SALF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006788	Proteína de unión a ralA 1 (RALBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006871	Serina-treonina cinasa de interacción con receptor 3 (RIPK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006867	Gen de proteína de unión a ARN con corte y empalme múltiple (RBPMS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006743	Proteína con motivo de unión a ARN 3 (RBM3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006868	RAB31, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB31) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006839	Proteína de membrana interna, mitocondrial (mitofilina) (IMMT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006812	Amplificado en osteosarcoma (OS-9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006656	Sialidasa 3 (sialidasa de membrana) (NEU3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006791	Gen relacionado con MORF 15 (MRG15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006766	Proteína de dedo de cinc 220 (ZNF220) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006804	Relacionado con proteína reguladora aguda esteroideogénica (MLN64) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006770	Receptor de macrófagos con estructura colagenosa (MARCO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006785	Gen de translocación de linfoma de tejido linfoide asociado a mucosas 1 (MALT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006767	Regulador de la transcripción tipo cremallera de leucina 1 (LZTR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006840	Receptor tipo inmunoglobulina de leucocitos, subfamilia B (con dominios TM y ITIM), miembro 5 (LILRB5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006866	Receptor tipo inmunoglobulina de leucocitos, subfamilia A (con dominio TM), miembro 2 (LILRA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006863	Receptor tipo inmunoglobulina de leucocitos, subfamilia A (con dominio TM), miembro 1 (LILRA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006847	Receptor tipo inmunoglobulina de leucocitos, subfamilia B (con dominios TM y ITIM), miembro 4 (LILRB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006865	Receptor tipo inmunoglobulina de leucocitos, subfamilia A (sin dominio TM), miembro 3 (LILRA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006864	Receptor tipo inmunoglobulina de leucocitos, subfamilia B (con dominios TM y ITIM), miembro 3 (LILRB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006738	Oncogén de crisis blástica linfoide (LBC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006762	Proteína que atraviesa múltiples membranas asociada a lisosoma 5 (LAPTM5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006737	Receptor tipo inmunoglobulina de linfocito citotóxico, tres dominios, cola citoplasmática larga, 2 (KIR3DL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006801	Receptor de retención de proteínas del retículo endoplásmico KDEL (Lys-Asp-Glu-Leu) 1 (KDEL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006844	Tipo ilvB (acetolacetato sintasa bacteriana) (ILVBL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006858	Proteína de unión a receptor T1/ST2 putativa (IL1RL1LG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006764	Regulador del desarrollo relacionado con interferón 2 (IFRD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006831	Proteína de unión a ATP/GTP (HEAB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006794	Receptor acoplado a proteína G 75 (GPR75) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006783	Proteína de unión comunicante, beta 6 (conexina 30) (GJB6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006733	Homólogo de respuesta primaria a FSH 1 (LRPR1, rata) (FSHPRH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006731	Distrofia muscular congénita tipo Fukuyama (FCMD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006730	Tipo desoxirribonucleasa I 1 (ADNSE1L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004366	Canal de cloruro 2 (CLCN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006725	Antígeno CD6 (CD6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006806	Familia BTG, miembro 3 (BTG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006763	Familia BTG, miembro 2 (BTG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006789	Enzima de edición del ARNm de la apolipoproteína B, tipo polipéptido catalítico 2 (APOBEC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006793	Peroxirredoxina 3 (PRDX3) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_006818	Gen fusionado a ALL1 del cromosoma 1q (AF1Q) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004289	Tipo factor nuclear (derivado de eritroide 2) 3 (NFE2L3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006526	Proteína de dedo de cinc 217 (ZNF217) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006523	Tipo X-prolil aminopeptidasa (aminopeptidasa P) (XPNPEPL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006537	Proteasa específica de ubiquitina 3 (USP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006564	Receptor acoplado a proteína G (TYMSTR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006573	Superfamilia del factor de necrosis tumoral (ligando), miembro 13b (TNFSF13B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001561	Superfamilia de receptores del factor de necrosis tumoral, miembro 9 (TNFRSF9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006528	Inhibidor de la vía del factor tisular 2 (TFPI2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006520	Tipo expresado en testículo 1 asociado a complejo t (TCTE1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006519	Tipo 1 expresado en testículo 1 asociado a complejo t 1 (TCTEL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006602	Tipo factor de transcripción 5 (hélice-bucle-hélice básico) (TCFL5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006593	Caja T, cerebro, 1 (TBR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006679	Receptor opioide putativo, tipo receptor de neuromedina K (neuroquinina B) (TAC3RL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006682	Tipo fibrinógeno 2 (FGL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006558	Proteína fosfotirosina tipo Sam68, T-STAR (T-STAR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006603	Antígeno estromal 2 (STAG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006717	Espindlina (SPIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006542	Respuesta en fase S (relacionada con ciclina) (SPHAR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006654	Factor diana neurotrófico asociado a suc 1 (adaptador de señalización FGFR) (SNT-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006622	Cinasa inducible por suero (SNK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006696	Proteína coactivadora del receptor de la hormona tiroidea (SMAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006516	Familia de transportadores de soluto 2 (transportador de glucosa facilitado), miembro 1 (SLC2A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006632	Familia de transportadores de soluto 17 (fosfato de sodio), miembro 3 (SLC17A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006517	Familia de transportadores de soluto 16 (transportadores de ácido monocarboxílico), miembro 2 (transportador putativo) (SLC16A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006598	Familia de transportadores de soluto 12 (transportadores de potasio/cloruro), miembro 7 (SLC12A7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006515	Dominio SET y gen de fusión de transposasa mariner (SETMAR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006664	Subfamilia A de citocinas inducibles pequeñas (Cys-Cys), miembro 27 (SCYA27) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006514	Canal de sodio, dependiente de voltaje, tipo X, polipéptido alfa (SCN10A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006559	Tirosina fosfoproteína asociada a GAP p62 (Sam68) (SAM68) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006511	Proteína reguladora transportadora de solutos, familia 1, miembro 1 (RSC1A1), inARN

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006583	Homólogo de rodopsina derivada del epitelio pigmentario retiniano (RRH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006604	Tipo proteína de dedo ret 3 (RFPL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006605	Tipo proteína de dedo ret 2 (RFPL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006505	Receptor de virus de la poliomielitis (PVR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006504	Proteína tirosina fosfatasa, tipo receptor, E (PTPRE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006503	Subunidad 26S de proteasoma (prosoma, macropaina), ATPasa, 4 (PSMC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006587	Corina (PRSC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006556	Fosfomevalonato cinasa (PMVK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006608	Factor de transcripción de homeodominio putativo (PHTF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006661	Fosfodiesterasa 10A (PDE10A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006674	ORF de la región MHC de clase I (P5-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006637	Receptor olfativo, familia 5, subfamilia I, miembro 1 (OR5I1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006649	Antígeno de cáncer de colon serológicamente definido 16 (SDCCAG16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002532	Nucleoporina de 88 kD (NUP88) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006702	Esterasa diana de neuropatía (NTE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006693	Factor específico de escisión y poliadenilación 4, subunidad de 30 kD (CPSF4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006669	Receptor tipo inmunoglobulina de leucocitos, subfamilia B (con dominios TM y ITIM), miembro 1 (LILRB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006533	Actividad inhibidora de melanoma (MIA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006500	Molécula de adhesión de melanoma (MCAM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006610	Lecitina de unión a manano serina proteasa 2 (MASP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006699	Manosidasa, alfa, clase 1A, miembro 2 (MAN1A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006498	Lectina, unión a galactósido, soluble, 2 (galectina 2) (LGALS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006547	Proteína de unión a ARNm de IGF-II 3 (KOC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006611	Receptor tipo lectina de linfocitos citotóxicos, subfamilia A, miembro 1 (KLRA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006546	Proteína de unión a ARNm de IGF-II 1 (IMP-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006665	Heparanasa (HPSE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006497	Hipermetilado en cáncer 1 (HIC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004667	Dominio hect y RLD 2 (HERC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006527	Proteína de unión a horquilla, histona (HBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006658	Sustrato G (GSBS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006496	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), polipéptido con actividad inhibidora alfa 3 (GNAI3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006529	Receptor de glicina, alfa 3 (GLRA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006530	Secuencia amplificada de gliomas 41 (GAS41) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006581	Fucosiltransferasa 9 (alfa (1,3) fucosiltransferasa) (FUT9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006700	Producto génico de FLN29 (FLN29) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006684	Relacionado con el factor de complemento H 4 (FHR-4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004113	Factor de crecimiento de fibroblastos 12B (FGF12B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006495	Sitio de integración del virus ecotrópico 2B (EVI2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006532	Gen ELL (gen de la leucemia rica en lisina 11-19) (ELL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006566	Glucoproteína de adhesión (DNAM-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006639	Receptor de cisteinil leucotrieno 1 (CYSLT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006586	Que contiene repetición de trinucleótidos 5 (TNRC5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006565	Factor de unión a CCCTC (proteína de dedo de cinc) (CTCF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006574	Proteoglucano condroitín sulfato 5 (neuroglucano C) (CSPG5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006688	Factor relacionado con C1q (CRF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006493	Lipofuscinosis cerioide, neuronal 5 (CLN5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001750	Calpastatina (CAST) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006624	Proteína de unión a adenovirus 5 E1A (BS69) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006698	Proteína asociada a cáncer de vejiga (BLCAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006716	Activador de cinasa de fase S (ASK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006534	Coactivador de receptor nuclear 3 (NCOA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006670	Glucoproteína de trofoblasto oncofetal 5T4 (5T4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002069	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), polipéptido con actividad inhibidora alfa 1 (GNAI1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001165	Que contiene dominios repetidos IAP baculovíricos 3 (BIRC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000391	Lipofuscinosis cerioide, neuronal 2, infantil tardío (enfermedad de Jansky-Bielschowsky) (CLN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005440	Proteína de unión a GTP Rho7 (RHO7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005346	Proteína de choque térmico de 70 kD 1B (HSPA1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005345	Proteína de choque térmico de 70 kD 1A (HSPA1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003545	Familia de histonas H4, miembro J (H4FJ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003543	Familia de histonas H4, miembro H (H4FH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003542	Familia de histonas H4, miembro G (H4FG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003540	Familia de histonas H4, miembro C (H4FC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003539	Familia de histonas H4, miembro B (H4FB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003538	Familia de histonas H4, miembro A (H4FA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005323	Familia de histonas H1, miembro T (específica de testículo) (H1FT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003752	Factor de iniciación de la traducción eucariota 3, subunidad 8 (110 kD) (EIF3S8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004929	Calbindina 1, (28 kD) (CALB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006122	Manosidasa, alfa, clase 2A, miembro 2 (MAN2A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006301	Proteína cinasa cinasa cinasa activada por mitógeno 12 (MAP3K12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006299	Proteína de dedo de cinc 193 (ZNF193) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006298	Proteína de dedo de cinc 192 (ZNF192) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006385	Proteína de dedo de cinc 211 (ZNF211) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006296	Cinasa relacionada con variolovacuna 2 (VRK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006295	Valil-ARNt sintetasa 2 (VARS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006447	Proteasa específica de ubiquitina 16 (USP16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006294	Proteína de unión a ubiquinol-citocromo c reductasa (UQCRB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006293	Proteína tirosina cinasa TYRO3 (TYRO3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006311	Co-represor del receptor nuclear 1 (NCOR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006291	Factor de necrosis tumoral, proteína inducida por alfa 2 (TNFAIP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006290	Factor de necrosis tumoral, proteína inducida por alfa 3 (TNFAIP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006288	Antígeno de superficie de células Thy-1 (THY1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006286	Factor de transcripción Dp-2 (pareja de dimerización de E2F 2) (TFDP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006284	Proteína de unión a caja TATA, factor asociado a (TBP), ARN polimerasa II, H, 30 kD (TAF2H) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006342	Transformante, proteína que contiene superenrollamiento ácido 3 (TACC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006283	Transformante, proteína que contiene superenrollamiento ácido 1 (TACC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006282	Serina/treonina cinasa 4 (STK4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006280	Receptor de secuencias señal, delta (proteína delta asociada a translocón) (SSR4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006307	Proteína que contiene repetición de dominios sushi, cromosoma X (SRPX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006415	Serina parmitoil transferasa, subunidad de base de cadena larga 1 (SPTLC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006450	Factor de corte y empalme (45 kD) (SPF45) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006422	Proteína de anclaje de la cinasa A (PRKA) 3 (AKAP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006446	Familia de transportadores de soluto 21 (transportador de aniones orgánicos), miembro 6 (SLC21A6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006278	Sialiltransferasa 4C (beta-galactosidasa alfa-2,3-sialiltransferasa) (SIAT4C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006378	Dominio sema, dominio de inmunoglobulina (Ig), dominio transmembrana (TM) dominio citoplasmático corto, (semaforina) 4D (SEMA4D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006379	Dominio sema, dominio de inmunoglobulina (Ig), dominio básico corto, secretada, (semaforina) 3C (SEMA3C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006274	Subfamilia de citocina inducible pequeña A (Cys-Cys), miembro 19 (SCYA19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006453	Tipo transducina (beta) 3 (TBL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006270	Homólogo de oncogén relacionado con vírico RAS (r-ras) (RRAS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006269	Retinitis pigmentosa 1 (dominante autosómico) (RP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006355	Proteína de dedo anular 15 (RNF15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006315	Proteína de dedo anular 3 (RNF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006394	Regulado en gliomas (RIG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006263	Subunidad 1 activadora de proteasoma (prosoma, macropaína) (PA28 alfa) (PSME1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006262	Periferina (PRPH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006261	Prophet of Pit1, factor de transcripción de homeodominio tipo paired emparejado (PROP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006260	Proteína cinasa, inhibidor dependiente de ARN bicatenario inducible por interferón (PRKRI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006259	Proteína cinasa, dependiente de GMPc, tipo II (PRKG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006257	Proteína cinasa C, theta (PRKCQ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006255	Proteína cinasa C, eta (PRKCH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006253	Proteína cinasa, activada por AMP, subunidad no catalítica beta 1 (PRKAB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006252	Proteína cinasa, activada por AMP, subunidad catalítica alfa 2 (PRKAA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006251	Proteína cinasa, activada por AMP, subunidad catalítica alfa 1 (PRKAA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006247	Proteína fosfatasa 5, subunidad catalítica (PPP5C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006246	Proteína fosfatasa 2, subunidad reguladora B (B56), isoforma épsilon (PPP2R5E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006245	Proteína fosfatasa 2, subunidad reguladora B (B56), isoforma delta (PPP2R5D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006244	Proteína fosfatasa 2, subunidad reguladora B (B56), isoforma beta (PPP2R5B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006243	Proteína fosfatasa 2, subunidad reguladora B (B56), isoforma alfa (PPP2R5A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006241	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora (inhibidora) 2 (PPP1R2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006240	Proteína fosfatasa, dominio de unión a calcio de mano EF 1 (PPEF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006238	Receptor activado por proliferador de peroxisomas, delta (PPARD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006237	Dominio POU, clase 4, factor de transcripción 1 (POU4F1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006236	Dominio POU, clase 3, factor de transcripción 3 (POU3F3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006235	Dominio POU, clase 2, factor de asociación 1 (POU2AF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006231	Polimerasa (dirigida a ADN), épsilon (POLE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006358	Familia de transportadores de soluto 25 (transportador mitocondrial; proteína de membrana peroxisómica, 34 kD), miembro 17 (SLC25A17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006227	Proteína de transferencia de fosfolípidos (PLTP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006226	Fosfolipasa C, épsilon (PLCE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006225	Fosfolipasa C, delta 1 (PLCD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006224	Proteína de transferencia de fosfatidilinositol (PITPN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006479	Proteína de interacción con RAD51 (PIR51) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006223	Que interactúa con proteína (peptidil-prolil cis/trans isomerasa) NIMA 4 (parvulina) (PIN4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006222	Tipo 1 que interactúa con proteína (peptidil-prolil cis/trans isomerasa) NIMA 1 (PIN1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006221	Que interactúa con proteína (peptidil-prolil cis/trans isomerasa) NIMA 1 (PIN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006218	Fosfoinosítido-3-cinasa, catalítica, polipéptido alfa (PIK3CA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006213	Fosforilasa cinasa, gamma 1 (músculo) (PHKG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006305	Proteína putativa I asociada a HLA humano clase II (PHAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006212	6-Fosfofructo-2-cinasa/fructosa-2,6-bifosfatasa 2 (PFKFB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006211	Proencefalina (PENK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006209	Ectonucleótido pirofosfatasa/fosfodiesterasa 2 (autotaxina) (ENPP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006205	Fosfodiesterasa 6H, específica de GMPc, cono, gamma (PDE6H) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006204	Fosfodiesterasa 6C, específica de GMPc, cono, alfa prima (PDE6C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006198	Proteína de célula de Purkinje 4 (PCP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006197	Material pericentriolar 1 (PCM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006195	Factor de transcripción de leucemia de células pre-B 3 (PBX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006193	Gen caja apareada 4 (PAX4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006191	2G4 asociada a proliferación, 38 kD (PA2G4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006189	Proteína marcadora olfativa (OMP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006186	Receptor nuclear, subfamilia 4, grupo A, miembro 2 (NR4A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006185	Proteína de aparato mitótico nuclear 1 (NUMA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006184	Nucleobindina 1 (NUCB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006182	Familia de receptores con dominio discoidina, miembro 2 (DDR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006180	Tirosina cinasa neurotrófica, receptor, tipo 2 (NTRK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006372	Proteína asociada a NSI 1 (NSAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006177	Cremallera de leucina de la retina neural (NRL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006176	Neurogranina (sustrato de proteína cinasa C, RC3) (NRGN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006174	Receptor del neuropéptido Y Y5 (NPY5R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006170	Proteína nucleolar 1 (120 kD) (NOL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006169	Nicotinamida N-metiltransferasa (NNMT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006165	Factor nuclear relacionado con proteína de unión a B kappa (NFRKB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006164	Tipo factor nuclear (derivado de eritroide 2) 2 (NFE2L2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006163	Factor nuclear (derivado de eritroide 2), 45 kD (NFE2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006160	Diferenciación neurogénica 2 (NEUROD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006158	Neurofilamento, polipéptido ligero (68 kD) (NEFL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006393	Nebulette (NEBL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006316	Activador de la transcripción de unión a ADN (NCYM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006153	Proteína adaptadora NCK 1 (NCK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006424	Familia de transportadores de soluto 34 (fosfato de sodio), miembro 2 (SLC34A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006317	Proteína cerebral soluble en ácido 1 (BASP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006343	Tirosina cinasa de proto-oncogén c-mer (MERTK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006457	Proteína LIM (similar a enigma de unión a proteína cinasa C de rata) (LIM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006148	Proteína SH3 y LIM 1 (LASP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006383	Proteína de interacción con la subunidad catalítica de proteína cinasa dependiente de ADN 2 (KIP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006459	Similar a proteína de <i>Caenorhabditis elegans</i> C42C1.9 (KEO4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006147	Factor regulador del interferón 6 (IRF6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006332	Interferón, proteína inducible por gamma 30 (IFI30) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006337	Proteína de microesférula 1 (MCRS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006308	Proteína de choque térmico de 27 kD 3 (HSPB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006403	Potenciador de filamentación 1 (acoplamiento tipo cas; relacionada con sustrato asociado a Crk) (HEF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006143	Receptor acoplado a proteína G 19 (GPR19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006302	Glucosidasa I (GCS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006478	Relacionada con GAS2 en el cromosoma 22 (GAR22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006338	Proteína del cromosoma 1 amplificado en gliomas (rica en leucina) (GAC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006360	Proteína de célula dendrítica (GA17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006329	Fibulina 5 (FBLN5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006404	Receptor de proteína C, endotelial (EPCR) (PROCR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006304	Región delecionada en split-hand/split-foot 1 (DSS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001355	D-dopacromo tautomerasa (DDT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006139	Antígeno CD28 (Tp44) (CD28) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006371	Proteína asociada a cartílago (CRTAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006136	Línea Z de músculo de proteína de sellado (filamento de actina), alfa 2 (CAPZA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006448	Que contiene repetición de trinucleótidos 1 (TNRC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006333	Proteína de unión a ADN nuclear (CID) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006419	Citocina inducible pequeña, subfamilia B (motivo Cys-X-Cys), miembro 13 (quimioatrayente de linfocitos B) (SCYB13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005453	Proteína de dedo de cinc 297 (ZNF297) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006324	Proteína de desarrollo craneofacial 1 (CFDP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006375	Antígeno citosólico de carcinoma de ovario 1 (COVA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004466	Glipicano 5 (GPC5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004484	Glipicano 3 (GPC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002856	Relacionado con el receptor del virus de la poliomielitis 2 (mediador de entrada del virus del herpes B) (PVRL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001420	Tipo ELAV (embrionario letal, visión anormal, <i>Drosophila</i>) 3 (antígeno Hu C) (ELAVL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001634	S-adenosilmetionina descarboxilasa 1 (AMD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000483	Apolipoproteína C-II (APOC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001645	Apolipoproteína C-I (APOC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000482	Apolipoproteína A-IV (APOA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005953	Metalotioneína 2A (MT2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005954	Metalotioneína 3 (factor inhibidor del crecimiento (neurotrófico)) (MT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006007	Proteína de dedo de cinc 216 (ZNF216) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006006	Proteína de dedo de cinc 145 (tipo Kruppel, expresada en leucemia promielocítica) (ZNF145) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006004	Proteína bisagra con ubiquinol-citocromo c reductasa (UQCRH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006003	Ubiquinol-citocromo c reductasa, polipéptido con hierro-azufre de Rieske 1 (UQCRFS1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_006088	Tubulina, beta, 2 (TUBB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005999	Factor asociado a translina X (TSNAX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006022	Proteína estimulada por factor de crecimiento transformante beta TSC-22 (TSC22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005998	Chaperonina que contiene TCP1, subunidad 3 (gamma) (CCT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006073	Triadina (TRDN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005997	Tipo factor de transcripción 1 (TCFL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006116	Proteína de unión a cinasa activada por factor de crecimiento transformante beta 1 (TAB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005989	Aldo-ceto reductasa, familia 1, miembro D1 (delta 4-3-cetoesteroide-5-beta-reductasa) (AKR1D1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005988	Proteína pequeña rica en prolina 2A (SPRR2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005986	SRY (región determinante del sexo Y)-caja 1 (SOX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006049	Complejo activador de ARN nuclear pequeño, polipéptido 5, 19 kD (SNAPC5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006080	Dominio sema, dominio de inmunoglobulina (Ig), dominio básico corto, secretada, (semaforina) 3A (SEMA3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006072	Citocina inducible pequeña, subfamilia A (Cys-Cys), miembro 26 (SCYA26) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005981	Secuencia amplificada en sarcomas (SAS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006054	Reticulon 3 (RTN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005977	Proteína de dedo anular (tipo C3H2C3) 6 (RNF6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005975	Proteína tirosina cinasa 6 PTK6 (PTK6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005972	Receptor de polipéptido pancreático 1 (PPYR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006112	Peptidilprolil isomerasa E (ciclofilina E) (PPIE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006107	Fosfoproteína inducible por ácido (OA48-18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006067	Vecino de COX4 (NOC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005969	Tipo proteína 1 de ensamblaje de nucleosomas 4 (NAP1L4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006058	Factor asociado a Nef 1 (NAF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006097	Cadena ligera del regulador de miosina 2, isoforma de músculo liso (MYRL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005955	Factor de transcripción regulador de metales 1 (MTF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005932	Peptidasa intermedia mitocondrial (MIPEP) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_005931	Secuencia relacionada con polipéptido MHC de clase I B (MICB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006081	Factor de unión a MHC, beta (MHCBBF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005930	Antígeno 6 expresado en meningioma (super hélice rica en prolina) (MGEA6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005928	Proteína del factor 8 EGF-glóbulo graso de la leche (MFGE8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005926	Proteína asociada a microfibrilar 1 (MFAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005925	Meprina A, beta (MEP1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005924	Caja homeótica de mesénquima 2 (caja homeótica específica de la detención del crecimiento) (MEOX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005920	Factor potenciador de la transcripción de la caja MADS 2, polipéptido D (factor potenciador de miocitos 2D) (MEF2D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005919	Factor potenciador de la transcripción de la caja MADS 2, polipéptido B (factor potenciador de miocitos 2B) (MEF2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005918	Malato deshidrogenasa 2, NAD (mitocondrial) (MDH2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_005917	Malato deshidrogenasa 1, NAD (soluble) (MDH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005913	Receptor de melanocortina 5 (MC5R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005912	Receptor de melanocortina 4 (MC4R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005911	Metionina adenosiltransferasa II, alfa (MAT2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005908	Manosidasa, beta A, lisosómica (MANBA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005907	Manosidasa, alfa, clase 1A, miembro 1 (MAN1A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005898	Componente de membrana, cromosoma 11, marcador de superficie 1 (M11S1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006060	Proteína de dedo de cinc, subfamilia 1A, 1 (Ikaros) (ZNFN1A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006059	Laminina, gamma 3 (LAMC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006038	PD1 asociada a espermatogénesis (KIAA0757) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006084	Factor de transcripción estimulado por interferón 3, gamma (48 kD) (ISGF3G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005897	Polipéptido promovido por partícula A intracisternal (IPP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005896	Isocitrato deshidrogenasa 1 (NADP+), soluble (IDH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006028	Receptor 3B de 5-hidroxitriptamina (serotonina) (HTR3B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006120	Complejo mayor de histocompatibilidad, clase II, DM alfa (HLA-DMA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006026	Familia de histonas H1, miembro X (H1FX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006051	Tipo FE65 2 (FE65L2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006079	Transactivador que interactúa con Cbp/p300, con dominio del extremo carboxilo rico en Glu/Asp, 2 (CITED2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005894	Tipo antígeno CDS (familia rica en cisteína de receptor secuestrante) (CD5L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006016	Antígeno CD164, sialomucina (CD164) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006078	Canal de calcio, dependiente de voltaje, subunidad gamma 2 (CACNG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006030	Canal de calcio, dependiente de tensión, subunidad alfa 2/subunidad delta 2 (CACNA2D2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006085	3'(2'),5'-bifosfato nucleotidasa 1 (BPNT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006015	Relacionado con SWI/SNF, asociado con matriz, regulador de cromatina dependiente de actina, subfamilia f, miembro 1 (SMARCF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_006066	Aldo-ceto reductasa, familia 1, miembro A1 (aldehído reductasa) (AKR1A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005891	Acetil-Coenzima A acetiltransferasa 2 (acetoacil Coenzima A tiolasa) (ACAT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006020	Reparación de la alquilación; homólogo de alkB (ABH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004056	Anhidrasa carbónica VIII (CA8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005664	Makorina, proteína de dedo anular, 3 (MKRN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005662	Canal de aniones dependiente de voltaje 3 (VDAC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005836	Proteína de inhibición de la traducción p14.5 (UK114) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005660	Familia de transportadores de soluto 35 (transportador de UDP-galactosa), miembro 2 (SLC35A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005659	Tipo la degradación por fusión de la ubiquitina 1 (UFD1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005706	Candidato subtransferible supresor tumoral 4 (TSSC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005723	Tetraspan 5 (TSPAN-5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005727	Tetraspan 1 (TSPAN-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005658	Factor asociado al receptor TNF 1 (TRAF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005802	Proteína de unión a proteína tumoral p53 (TP53BPL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005749	Transductor de ERBB2, 1 (TOB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005655	Respuesta de crecimiento temprano inducible por TGFB (TIEG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005653	Factor de transcripción CP2 (TFCP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005654	Receptor nuclear, subfamilia 2, grupo F, miembro 1 (NR2F1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005652	Factor de unión a la repetición telomérica 2 (TERF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005885	Tipo SSM4 de <i>S. cerevisiae</i> (TEB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005651	Triptófano 2,3-dioxigenasa (TDO2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005649	Factor de transcripción 17 (TCF17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005647	Tipo transducina (beta) 1 (TBL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005645	Factor asociado a proteína de unión a caja TATA (TBP), ARN polimerasa II, K, 18 kD (TAF2K) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
MM_005643	Factor asociado a proteína de unión a caja TATA (TBP), ARN polimerasa II, I, 28 kD (TAF2K) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005641	Factor asociado a proteína de unión a caja TATA (TBP), ARN polimerasa II, E, 70/85 kD (TAF2E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005679	Factor asociado a proteína de unión a caja TATA (TBP), ARN polimerasa I, C, 110 kD (TAF1C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005681	Factor asociado a proteína de unión a caja TATA (TBP), ARN polimerasa I, A, 48 kD (TAF1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005639	Sinaptotagmina 1 (SYT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005638	Tipo sinaptobrevina 1 (SYBL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005635	Sarcoma sinovial, punto de rotura de X 1 (SSX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005871	Factor de corte y empalme 30, relacionado con la supervivencia de las neuronas motoras (SPF30) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005634	SRY (región determinante del sexo Y)-caja 3 (S0X3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005686	SRY (región determinante del sexo Y)-caja 13 (SOX 13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005629	Familia de transportador de solutos 6 (transportador de neurotransmisores, creatina), miembro 8 (SLC6A8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005630	Familia de transportador de solutos 21 (transportador de prostaglandina), miembro 2 (SLC21A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005628	Familia de transportador de solutos 1 (transportador de aminoácidos neutros), miembro 5 (SLC1A5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005627	Quinasa regulada por suero/glucocorticoides (SGK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005877	Factor de corte y empalme 3a, subunidad 1, 120kD (SF3A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005625	Proteína de unión a sindecano (sinténina) (SDCBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005623	Subfamilia A de citocina inducible pequeña (Cys-Cys), miembro 8 (proteína quimiotáctica de monocitos 2) (SCYA8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005624	Subfamilia A de citocina inducible pequeña (Cys-Cys), miembro 25 (SCYA25) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005850	Factor de corte y empalme 3b, subunidad 4, 49 kD (SF3B4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005772	Homólogo de ARN ciclasa (RNAC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005614	Homólogo de Ras enriquecido en cerebro 2 (RHEB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005777	Proteína de motivo de unión a ARN 6 (RBM6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005778	Proteína de motivo de unión a ARN 5 (RBM5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005611	Tipo retinoblastoma 2 (p130) (RBL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005704	Proteína tirosina fosfatasa, tipo receptor, U (PTPRU) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005607	Proteína tirosina quinasa 2 PTK2 (PTK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005789	Subunidad activadora de proteasoma (prosome, macropáina) 3 (PA28 gamma; Ki) (PSME3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM 005672	Antígeno de células de próstata (PSCA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005865	Proteasa, serina, 16 (timo) (PRSS16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005729	Peptidilprolil isomerasa F (ciclofilina F) (PPIF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005604	Dominio POU, clase 3, factor de transcripción 2 (POU3F2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005709	Proteína PDZ-73 (PDZ-73/NY-CO-38) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005767	Receptor purinérgico (familia A grupo 5) (P2Y5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005835	Familia de transportador de solutos 17 (fosfato sódico), miembro 2 (SLC17A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005793	Nucleósido difosfato quinasa tipo 6 (inhibidor de apoptosis inducida por p53-alfa) (NM23-H6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005600	Nitrilasa 1 (NIT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005599	Hélice bucle hélice naciente 2 (NHLH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005598	Hélice bucle hélice naciente 1 (NHLH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM 005596	Factor nuclear I/B (NFIB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005665	Sitio de integración del virus ecotrópico 5 (EVI5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005594	Polipéptido alfa del complejo asociado a polipéptido naciente (NACA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005593	Factor miogénico 5 (MYF5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005592	Músculo, esquelético, receptor tirosina cinasa (MUSK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005845	Casete de unión a ATP, sub-familia C (CFTR/MRP), miembro 4 (ABCC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005874	Receptor tipo inmunoglobulina de leucocitos, subfamilia B (con dominios TM y ITIM), miembro 2 (LILRB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005588	Meprina A, alfa (hidrolasa de péptido PABA) (MEP1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005587	Factor potenciador de la transcripción de la caja MADS 2, polipéptido A (factor potenciador de miocitos 2A) (MEF2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005810	Receptor tipo lectina de linfocitos citotóxicos, subfamilia G, miembro 1 (KLRG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005581	Grupo sanguíneo Lutheran (incluido antígeno Auberger b) (LU) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005578	Pareja de translocación preferente que contiene dominio LIM en lipoma (LPP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005577	Lipoproteína, Lp(a) (LPA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005576	Tipo lisil oxidasa 1 (LOXL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005573	Lamina B1 (LMNB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005572	Lamina A/C (LMNA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005568	Proteína de la caja homeótica LIM 1 (LHX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005780	Pareja de fusión de HMGIC en lipomas (LHFP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005566	Lactato deshidrogenasa A (LDHA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005564	Lipocalina 2 (oncogén 24p3) (LCN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005558	Ladinina 1 (LAD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005556	Queratina 7 (KRT7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005557	Queratina 16 (queratodermia palmoplantar no epidermolítica focal) (KRT16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005553	Queratina, cutícula, azufre ultra alto 1 (KRN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005552	Quinesina 2 (60-70 kD) (KNS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005551	Calicreína 2, prostática (KLK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005550	Miembro de la familia de quinesina C3 (KIFC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005832	Canal de potasio activado por gran conductancia de calcio, subfamilia M, miembro beta 2 (KCNCB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005549	Canal de potasio dependiente de voltaje, subfamilia relacionada con shaker, miembro 10 (KCNA10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005548	Lisil-ARNt sintetasa (KARS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005547	Involucrina (IVL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005545	Superfamilia de inmunoglobulina que contiene una repetición rica en leucina (ISLR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005853	Proteína con homeodominio de clase iroquois (IRX-2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005544	Sustrato receptor de insulina1 (IRS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005543	Tipo insulina 3 (célula de Leydig) (INSL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005542	Gen inducido por insulina 1 (INSIG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005541	Inositol polifosfato-5-fosfatasa, 145 kD (INPP5D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005539	Inositol polifosfato-5-fosfatasa, 40 kD (INPP5A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005537	Familia de inhibidores del crecimiento 1, miembro 1 (ING1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005535	Receptor de interleucina 12, beta 1 (IL12RB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005532	Interferón, proteína alfa-inducible 27 (IFI27) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005531	Interferón, proteína gamma-inducible 16 (IFI16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005530	Isocitrato deshidrogenasa 3 (NAD+) alfa (IDH3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005808	Proteína HYA22 (HYA22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005528	Proteína de choque térmico de 40 kD 2 (HSPF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005526	Factor de transcripción de choque térmico 1 (HSF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005525	Hidroxiesteroide (11-beta) deshidrogenasa 1 (HSD11B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005522	Caja homeótica A1 (HOXA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005521	Caja homeótica 11 (punto de rotura asociado a linfoma de linfocitos T 3) (HOX11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005518	3-hidroxi-3-metilglutaril-Coenzima A sintasa 2 (mitocondrial) (HMGCS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005515	Caja homeótica HB9 (HLXB9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005516	Complejo mayor de histocompatibilidad, clase I, E (HLA-E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005712	Asociado a LTR de HERV-H 1 (HHLA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005844	Miembro de la familia PERB11 en la región MHC de clase I (HCGIX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005513	Factor de transcripción general IIE, polipéptido 1 (subunidad alfa, 56 kD) (GTF2E1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005683	Receptor acoplado a proteína G 55 (GPR55) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005684	Receptor acoplado a proteína G 52 (GPR52) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005512	Predominante en repeticiones de glucoproteína A (GARP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005851	Relacionado con el supresor de tumor deletado en el cáncer oral 1 (DOC-1R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005740	Dineína, axonémica, polipéptido ligero 4 (ADNL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005872	Secuencia amplificada en carcinoma de mama 2 (BCAS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005671	Reproducción 8 (D8S2298E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005800	Proteína altamente cargada (D13S106E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005752	Lectina tipo C (dominio de reconocimiento de hidratos de carbono dependiente de calcio), miembro de superfamilia 1 (derivado de cartílago) (CLECSF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005507	Cofilina 1 (no muscular) (CFL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005825	Proteína liberadora de guanil RAS 2 (regulada por calcio y DAG) (RASGRP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005773	Proteína de dedo de cinc 256 (ZNF256) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005774	Proteína de dedo de cinc 255 (ZNF255) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005504	Aminotransferasa de cadena ramificada 1, citosólica (BCAT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005738	Tipo factor de ribosilación de ADP 4 (ARL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005731	Complejo proteico 2/3 relacionado con actina, subunidad 2 (34 kD) (ARPC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005719	Complejo proteico 2/3 relacionado con actina, subunidad 3 (21 kD) (ARPC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005883	Tipo poliposis adenomatosa coli (APCL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005858	Cinasa A (PRKA) Proteína de anclaje 8 (AKAP8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002023	Fibromodulina (FMOD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000108	Dihidrolipoamida deshidrogenasa (componente E3 del complejo de piruvato deshidrogenasa, complejo 2-oxo-glutarato, complejo deshidrogenasa de los cetoácidos de cadena ramificada) (DLD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001621	Receptor de hidrocarburos de arilo (AHR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001101	Actina, beta (ACTB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001100	Actina, alfa 1, músculo esquelético (ACTA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000054	Receptor de arginina-vasopresina 2 (diabetes insípida nefrogénica) (AVPR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005455	Proteína de dedo de cinc 265 (ZNF265) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005433	Homólogo 1 de oncogén de sarcoma vírico de Yamaguchi v-yes-1 (YES1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005429	Factor de crecimiento vascular endotelial C (VEGFC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005499	Subunidad 2 de la enzima activadora de SUMO-1 (UBA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005427	Proteína tumoral p73 (TP73) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005425	Proteína de transición 2 (durante la sustitución de histonas por protaminas) (TNP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005424	Tirosina cinasa con dominios de homología de inmunoglobulina y factor de crecimiento epidérmico (TIE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005423	Factor trefoil 2 (proteína espasmolítica 1) (TFF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005422	Tecorina alfa (TECTA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005421	Leucemia linfocítica aguda de linfocitos T 2 (TAL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005420	Sulfotransferasa, con preferencia por estrógenos (STE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005418	Supresión de tumorigenicidad 5 (ST5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005470	Proteína de unión a dominio de espectrina SH3 1 (SSH3BP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
r>IM 005416	Proteína rica en prolina pequeña 3 (SPRR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005460	Sinucleína, proteína que interactúa con alfa (sinfilina) (SNCAIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005412	Serina hidroximetiltransferasa 2 (mitocondrial) (SHMT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005408	Subfamilia de citocina inducible pequeña A (Cys-Cys), miembro 13 (SCYA13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005402	Homólogo A de oncogén de la leucemia vírico de simio v-ral (relacionado con ras) (RALA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005397	Tipo podocalixina (PODXL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005395	Tipo segregación postmeiótica aumentada 2 9 (PMS2L9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005394	Tipo segregación postmeiótica aumentada 2 8 (PMS2L8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005390	Piruvato deshidrogenasa (ipoamida) alfa 2 (PDHA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005389	Proteína -L-isoaspartato (D-aspartato) O-metiltransferasa (PCMT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005450	Noggin (NOG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005386	Neuronatina (NNAT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005384	Factor nuclear, regulado por interleucina 3 (NFIL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005383	Sialidasa 2 (sialidasa citosólica) (NEU2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005382	Neurofilamento 3 (150 kD medio) (NEF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005381	Nucleolina (NCL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005380	Neuroblastoma, supresión de tumorigenicidad 1 (NBL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005468	Tipo dipeptidasa ácida unida a alfa N-acetilada; DIPEPTIDILPEPTIDASA ILEAL (NAALADASEL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005374	Proteína de membrana, palmitoilada 2 (MAGUK p55 miembro de la subfamilia 2) (MPP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005373	Oncogén del virus de la leucemia mieloproliferativa (MPL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005372	Homólogo de oncogén de sarcoma murino vírico de Moloney v-mos (MOS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005439	Factor de leucemia mieloides 2 (MLF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005369	Secuencia transformante derivada de la línea celular MCF.2 (MCF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005368	Mioglobina (MB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005363	Antígeno de melanoma, familia A, 6 (MAGEA6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005362	Antígeno de melanoma, familia A, 3 (MAGEA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005361	Antígeno de melanoma, familia A, 2 (MAGEA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005475	Proteína adaptadora linfocítica (LNK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005357	Lipasa, sensible a hormonas (LIPE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005356	Proteína tirosina cinasa específica de linfocito (LCK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005472	Canal de potasio dependiente de voltaje, familia relacionada con Isk, miembro 3 (KCNE3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005495	Familia de transportadores de soluto 17 (fosfato de sodio), miembro 4 (SLC17A4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005456	Proteína 1 que interactúa con proteína cinasa activada por mitógeno 8 (MAPK8IP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005343	Homólogo de oncogén de sarcoma vírico de rata Harvey v-Ha-ras (HRAS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005342	Proteína 4 del grupo de alta movilidad (cromosómica no histona) (HMG4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005341	Miembro HKR3 de la familia GLI-Kruppel (HKR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005337	Proteína hematopoyética 1 (HEM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005477	Canal de potasio dependiente de la hiperpolarización activada por nucleótidos cíclicos 4 (HCN4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005335	Sustrato Lyn específico de célula hematopoyética 1 (HCLS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005334	Factor de célula hospedadora C1 (proteína accesoria VP16) (HCFC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005333	Holocitocromo c sintasa (citocromo c hemo-liasa) (HCCS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005328	Ácido hialurónico sintasa 2 (HAS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005327	L-3-hidroxiacil-Coenzima A deshidrogenasa, cadena corta (HADHSC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005324	Histona H3, familia 3B (H3.3B) (H3F3B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005321	Familia de histonas H1, miembro 4 (H1F4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005320	Familia de histonas H1, miembro 3 (H1F3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005319	Familia de histonas H1, miembro 2 (H1F2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005325	Familia de histonas H1, miembro 1 (H1F1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005318	Familia de histonas H1, miembro 0 (H1F0) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005459	Activador de la guanilato ciclasa 1C (GUCA1C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005316	Factor de transcripción general IIH, polipéptido 1 (subunidad de 62 kD) (GTF2H1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005315	Tipo goosecoide (GSCL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005314	Receptor del péptido liberador de gastrina (GRPR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005313	Proteína regulada por glucosa, 58 kD (GRP58) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005312	Factor liberador de nucleótidos de guanina 2 (específico para proto-oncogén crk) (GRF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005311	Proteína unida al receptor del factor de crecimiento 10 (GRB10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005309	Glutamato-piruvato transaminasa (alanina aminotransferasa) (GPT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005308	Cinasa 5 del receptor acoplado a proteína G (GPRK5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005286	Receptor acoplado a proteína G 8 (GPR8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005285	Receptor acoplado a proteína G 7 (GPR7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005284	Receptor acoplado a proteína G 6 (GPR6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005458	Receptor acoplado a proteína G 51 (GPR51) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005282	Receptor acoplado a proteína G 4 (GPR4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005306	Receptor acoplado a proteína G 43 (GPR43) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005305	Receptor acoplado a proteína G 42 (GPR42) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005304	Receptor acoplado a proteína G 41 (GPR41) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005303	Receptor acoplado a proteína G 40 (GPR40) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005281	Receptor acoplado a proteína G 3 (GPR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005302	Receptor acoplado a proteína G 37 (Similar a receptor de endotelina tipo B) (GPR37) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005301	Receptor acoplado a proteína G 35 (GPR35) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005300	Receptor acoplado a proteína G 34 (GPR34) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005299	Receptor acoplado a proteína G 31 (GPR31) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005298	Receptor acoplado a proteína G 25 (GPR25) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005297	Receptor acoplado a proteína G 24 (GPR24) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005296	Receptor acoplado a proteína G 23 (GPR23) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005295	Receptor acoplado a proteína G 22 (GPR22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005294	Receptor acoplado a proteína G 21 (GPR21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005293	Receptor acoplado a proteína G 20 (GPR20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005279	Receptor acoplado a proteína G 1 (GPR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005291	Receptor acoplado a proteína G 17 (GPR17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005290	Receptor acoplado a proteína G 15 (GPR15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005288	Receptor acoplado a proteína G 12 (GPR12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005276	Glicerol-3-fosfato deshidrogenasa 1 (soluble) (GPD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005275	Tipo proteína de unión a nucleótidos de guanina 1 (GNL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005274	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), gamma 5 (GNG5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005273	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), polipéptido beta 2 (GNB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005271	Glutamato deshidrogenasa 1 (GLUD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005269	Homólogo de oncogén asociado a glioma (proteína de dedo de cinc) (GLI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005264	Receptor alfa 1 de la familia GDNF (GFRA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005263	Factor de crecimiento independiente 1 (GFI1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005256	Específico de detención del crecimiento 2 (GAS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005255	Cinasa asociada a ciclina G (GAK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005253	Antígeno 2 tipo FOS (FOSL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005249	Caja forkhead G1B (FOXC1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005251	Caja forkhead C2 (MFH-1, forkhead de mesénquima 1) (FOXC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005248	Homólogo de oncogén de sarcoma felino vírico de Gardner-Rasheed (v-fgr) (FGR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005246	Fer (relacionada con fps/fes) tirosina cinasa (fosfoproteína NCP94) (FER) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005234	Subfamilia 2 de receptores nucleares, grupo F, miembro 6 (NR2F6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005233	EphA3 (EPA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005231	Secuencia ems1 (asociada a tumor de mama y carcinoma de células escamosas (sustrato de src p80/85) (EMS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005227	Efrina-A4 (EFNA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005223	Desoxirribonucleasa I (ADNASE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005222	Caja homeótica "distal-less" 6 (DLX6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005220	Caja homeótica "distal-less" 3 (DLX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005216	Dolicil-difosfooligosacárido-proteína glucosiltransferasa (DDOST) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005215	Deleciónado en carcinoma colorrectal (DCC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005436	Segmento de ADN, copia única, sonda pH4 (secuencia transformante, tiroide-1, (D10S170) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005214	Proteína asociada a linfocito T citotóxico 4 (CTLA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005213	Cistatina A (estefina A) (CSTA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005492	Cistatina 8 (específica del epidídimo relacionada con cistatina) (CST8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005212	Caseína, kappa (CSN10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005211	Receptor 1 del factor estimulante de colonias, antiguamente homólogo de oncogén del sarcoma felino vírico de McDonough (v-fms) (CSF1R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005204	Proteína cinasa cinasa cinasa activada por mitógeno 8 (MAP3K8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005200	Regulador de adhesión de matriz celular (CMAR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005195	Proteína de unión a CCAAT/potenciador (C/EBP), delta (CEBPD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005194	Proteína de unión a CCAAT/potenciador (C/EBP), beta (CEBPB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005193	Factor de transcripción de caja homeótica tipo caudal 4 (CDX4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005191	Antígeno CD80 (ligando del antígeno CD28 1, antígeno B7-1) (CD80) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005188	Secuencia transformante del retrovirus ecotrópico Cas-Br-M (murino) (CBL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005185	Tipo calmodulina 3 (CALML3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005184	Calmodulina 3 (fosforilasa cinasa, delta) (CALM3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005483	Factor de ensamblaje de la cromatina 1, subunidad A (P150) (CHAF1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005441	Factor de ensamblaje de la cromatina 1, subunidad B (P60) (CHAF1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005183	Canal de calcio, dependiente de tensión, subunidad alfa 1F (CACNA1F) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005182	Anhidrasa carbónica VII (CA7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005448	Proteína morfogenética ósea 15 (BMP15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005178	CLL/linfoma de células B 3 (BCL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005177	ATPasa, transporte de H ⁺ , proteína accesoria no catalítica lisosómica (bomba de protones vacuolar) 1A, (110/116 kD) (ATP6N1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005174	ATP sintasa, transporte de H ⁺ , complejo F1 mitocondrial, polipéptido gamma 1 (ATP5C1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005173	ATPasa, transporte de Ca ⁺⁺ , ubicua (ATP2A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005171	Factor de transcripción activador 1 (ATF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005167	Familia de genes homólogos de ras, miembro C (ARHC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005166	Proteína tipo precursor beta amiloide (A4) 1 (APLP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005165	Aldolasa C, fructosa-bisfosfato (ALDOC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005163	Homólogo 1 de oncogén de timoma murino vírico v-akt (AKT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005161	Tipo receptor de angiotensina 1 (AGTRL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005095	Proteína de dedo de cinc 262 (ZNF262) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005096	Proteína de dedo de cinc 261 (ZNF261) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005081	Proteína de dedo de cinc 142 (clon pHZ-49) (ZNF142) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005121	Proteína asociada a hormona tiroidea, subunidad de 240 kDa (TRAP240) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005079	Proteína tumoral D52 (TPD52) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005091	Proteína de reconocimiento de peptidoglucano (PGLYRP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005092	Superfamilia del factor de necrosis tumoral (ligando), miembro 18 (TNFSF18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005118	Superfamilia del factor de necrosis tumoral (ligando), miembro 15 (TNFSF15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005147	Homólogo de los discos imaginales tumorales (<i>Drosophila</i>) (TID1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005076	Contactina 2 (axonal) (CNTN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005116	Familia de transportadores de soluto 23 (transportadores de nucleobases), miembro 1 (SLC23A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005070	Familia de transportadores de soluto 4, intercambiador de aniones, miembro 3 (SLC4A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005074	Familia de transportadores de soluto 17 (fosfato de sodio), miembro 1 (SLC17A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005073	Familia de transportadores de soluto 15 (transportador de oligopéptidos), miembro 1 (SLC15A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005072	Familia de transportadores de soluto 12 (transportadores de potasio/cloruro), miembro 4 (SLC12A4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005063	Estearoil-CoA desaturasa (delta-9-desaturasa) (SCD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005060	Receptor huérfano relacionado con RAR C (RORC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005059	Relaxina 2 (H2) (RLN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005045	Reelina (RELN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005058	Proteína con motivo de unión a ARN, cromosoma Y, familia 1, miembro A1 (RBM1A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005052	Sustrato 3 de la toxina botulínica C3 relacionado con ras (familia rho, proteína de unión a GTP pequeña Rac3) (RAC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005051	Glutaminil-ARNt sintetasa (QARS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005048	Receptor de la hormona paratiroidea 2 (PTH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005044	Proteína cinasa, unida a X (PRKX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005043	Proteína cinasa cinasa activada por mitógeno 7 (MAP2K7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005042	Subfamilia 2 de la proteína HaeIII rica en prolina (PRH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005041	Perforina 1 (proteína preformadora) (PRF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005040	Proilcarboxipeptidasa (angiotensinasa C) (PRCP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005039	Subfamilia 1 de la proteína BstNI rica en prolina (PRB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005038	Peptidilprolisomerasa D (ciclofilina D) (PPID) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005029	Factor de transcripción con homeodominio tipo emparejado 3 (PITX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005027	Fosfoinosítido-3-cinasa, subunidad reguladora, polipéptido 2 (P85 beta) (PIK3R2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005026	Fosfoinosítido-3-cinasa, catalítica, polipéptido delta (PIK3CD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005021	Ecanucleótido pirofosfatasa/fosfodiesterasa 3 (ENPP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005019	Fosfodiesterasa 1A, dependiente de calmodulina (PDE1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005018	Muerte celular programada 1 (PDCD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005015	Tipo ensamblaje de oxidasa (citocromo c) 1 (OXA1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005085	Nucleoporina de 214 kD (CAIN) (NUP214) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005124	Nucleoporina de 153 kD (NUP153) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005013	Nucleobindina 2 (NUCB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005012	Receptor huérfano tipo I receptor tirosina cinasa 1 (ROR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005011	Factor de respiración nuclear 1 (NRF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005010	Molécula de adhesión celular neuronal (NRCAM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005009	Células no metastásicas 4, proteína expresada en (NME4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005007	Tipo I inhibidor 1 del factor nuclear del potenciador génico del polipéptido ligero kappa en células B (NFKBIL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005004	Subcomplejo 1 beta de NADH deshidrogenasa (ubiquinona), 8 (19 kD, ASH1) (NDUFB8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005001	Subcomplejo 1 alfa de NADH deshidrogenasa (ubiquinona), 7 (14,5 kD, B14.5a) (NDUFA7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004988	Antígeno de melanoma, familia A, 1 (dirige la expresión del antígeno MZ2-E) (MAGEA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005097	Rica en leucina, inactivada en gliomas 1 (LGI1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004984	Miembro de la familia de quinesina 5A (KIF5A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004983	Canal de potasio rectificado internamente, subfamilia J, miembro 9 (KCNJ9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004982	Canal de potasio rectificado internamente, subfamilia J, miembro 8 (KCNJ8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000890	Canal de potasio rectificado internamente, subfamilia J, miembro 5 (KCNJ5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004981	Canal de potasio rectificado internamente, subfamilia J, miembro 4 (KCNJ4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005136	Canal de potasio dependiente de voltaje, familia relacionada con Isk, miembro 2 (KCNE2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004980	Canal de potasio dependiente de voltaje, subfamilia relacionada con Shal, miembro 3 (KCND3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004979	Canal de potasio dependiente de voltaje, familia relacionada con Shal, miembro 1 (KCND1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004978	Canal de potasio dependiente de voltaje, subfamilia relacionada con Shaw, miembro 4 (KCNC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004977	Canal de potasio dependiente de voltaje, subfamilia relacionada con Shaw, miembro 3 (KCNC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004976	Canal de potasio dependiente de voltaje, subfamilia relacionada con Shaw, miembro 1 (KCNC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004975	Canal de potasio dependiente de voltaje, subfamilia relacionada con Shab, miembro 1 (KCNB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004969	Enzima degradadora de insulina (IDE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005143	Hapaglobina (HP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004965	Proteína del grupo de alta movilidad (cromosómica no histona) 14 (HMG14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005130	Proteína de unión a factor de crecimiento de unión a heparina (HBP17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004963	Guanilato ciclasa 2C (receptor de enterotoxina estable al calor) (GUCY2C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005100	Cinasa A (PRKA) Proteína de anclaje (gravina) 12 (AKAP12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005113	Autoantígeno del golgi, subfamilia de golgina a, 5 (GOLGA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005145	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), gamma 7 (GNG7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005142	Factor intrínseco gástrico (síntesis de vitamina B) (GIF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005110	Glutamina-fructosa-6-fosfato transaminasa 2 (GFPT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004960	Fusión, liposarcoma maligno derivado de t(12;16) (FUS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004959	Subfamilia 5 de receptores nucleares, grupo A, miembro 1 (NR5A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004957	Folilpoliglutamato sintasa (FPGS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004956	Gen variante de ets 1 (ETV1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004955	Familia de transportadores de soluto 29 (transportador de nucleósidos), miembro 1 (SLC29A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005107	Tipo endonucleasa G 1 (ENDOGL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004953	Factor de iniciación de la traducción eucariota 4 gamma, 1 (EIF4G1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004952	Efrina-A3 (EFNA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004944	Tipo desoxirribonucleasa 3 (ADNSE1L3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004938	Proteína cinasa asociada a la muerte 1 (DAPK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_005127	Lectina tipo C (dominio de reconocimiento de hidratos de carbono dependiente de calcio), miembro de superfamilia 2 (inducida por activación) (CLECSF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004935	Cinasa dependiente de ciclina 5 (CDK5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004931	Antígeno CDS, polipéptido beta 1 (P37) (CD8B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005125	Chaperona de cobre para superóxido dismutasa (CCS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005093	Factor de unión al núcleo, dominio runt, subunidad alfa 2; translocado a, 2 (CBFA2T2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004930	Línea Z de músculo de proteína de sellado (filamento de actina), beta (CAPZB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_005139	Anexina A3 (ANXA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000664	Acetil-Coenzima A carboxilasa alfa (ACACA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002108	Histidina amoníaco liasa (HAL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001718	Proteína morfogenética ósea 6 (BMP6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001154	Anexina A5 (ANXA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001153	Anexina A4 (ANXA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004817	Proteína de unión estrecha 2 (zona ocludens 2) (TJP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004736	Receptor de retrovirus xenotrópico y politrópico (XPR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004628	Xerodermia pigmentosa, grupo de complementación C (XPC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004627	Proteína básica rica en triptófano (WRB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004183	Distrofia macular viteliforme (enfermedad de Best, bestrofina) (VMD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004664	Homólogo 1 de LIN7 de vertebrados, proteína de interacción Tax 33 (VELI1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004679	Carga variable, cromosoma Y (VCY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004182	Transcrito expresado ubicuamente (UXT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004651	Proteasa específica de ubiquitina 11 (USP11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004181	Esterasa del extremo carboxilo de de la ubiquitina L1 (ubiquitina tiolesterasa) (UCHL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004223	Enzima conjugadora de ubiquitina E2L 6 (UBE2L6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004623	Dominio de repetición del tetratricopéptido 4 (TTC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004622	Translina (TSN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004236	Proteína que interactúa con el receptor tiroideo 15 (TRIP15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004909	Gen asociado a la resistencia a taxol 3 (TRAG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004295	Factor asociado al receptor TNF 4 (TRAF4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004179	Triptófano hidroxilasa (triptófano 5-monooxigenasa) (TPH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004195	Superfamilia de receptores del factor de necrosis tumoral, miembro 18 (TNFRSF18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004202	Timosina, beta 4, cromosoma Y (TMSB4Y) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004616	Miembro 3 de la superfamilia transmembrana 4 (TM4SF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004615	Miembro 2 de la superfamilia transmembrana 4 (TM4SF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004865	Tipo TBP 1 (TBPL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004613	Transglutaminasa 2 (polipéptido C, proteína -glutamina-gamma-glutamyltransferasa) (TGM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004612	Factor de crecimiento transformante, receptor beta 1 (cinasa tipo receptor de activina A tipo II, 53 kD) (TGFB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004708	Muerte celular programada 5 (PDCD5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm,
NM_004918	Linfoma/leucemia de linfocitos T 1B (TCL1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004609	Factor de transcripción 15 (hélice-bucle-hélice básica) (TCF15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004780	Tipo factor de elongación de la transcripción A (SII) 1 (TCEAL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004783	Proteína cinasa de 1001 aminoácidos (TAO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004606	Proteína de unión a caja TATA, factor asociado a TBP, ARN polimerasa II, A, 250 kD (TAF2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004710	Sinaptogirina 2 (SYNGR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004711	Sinaptogirina 1 (SYNGR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004605	Familia de sulfotransferasa, citosólica, 2B, miembro 1 (SULT2B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004853	Sintaxina 8 (STX8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004603	Sintaxina 1A (cerebro) (STX1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004217	Serina/treonina cinasa 12 (STK12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004599	Factor de transcripción de unión a elemento regulador de esteroides 2 (SREBF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004176	Factor de transcripción de unión a elemento regulador de esteroides 1 (SREBF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000582	Fosfoproteína secretada 1 (osteopontina, sialoproteína ósea I, activación temprana de linfocitos T 1) (SPP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004189	SRY (región determinante del sexo Y)-caja 14 (SOX14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004596	Polipéptido A de ribonucleoproteína nuclear pequeña (SNRPA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004782	Proteína asociada a sinaptosoma, 29 kD (SNAP29) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004595	Espermina sintasa (SMS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004594	Familia de transportadores de soluto 9 (intercambiador de sodio/hidrógeno), isoforma 5 (SLC9A5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004173	Familia de transportadores de soluto 7 (transportador de aminoácidos catiónicos, sistema y+), miembro 4 (SLC7A4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004211	Familia de transportadores de soluto 6 (transportador de neurotransmisores, glicina), miembro 5 (SLC6A5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004858	Familia de transportadores de soluto 4, cotransportador de bicarbonato de sodio, miembro 8 (SLC4A8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004727	Familia de transportadores de soluto 24 (intercambiador de sodio/potasio/calcio), miembro 1 (SLC24A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004172	Familia de transportadores de soluto 1 (transportador glial de alta afinidad por el glutamato), miembro 3 (SLC1A3) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_004171	Familia de transportadores de soluto 1 (transportador glial de alta afinidad por el glutamato), miembro 2 (SLC1A2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_004731	Familia de transportadores de soluto 16 (transportadores de ácido monocarboxílico), miembro 7 (SLC16A7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004695	Familia de transportadores de soluto 16 (transportadores de ácido monocarboxílico), miembro 5 (SLC16A5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004207	Familia de transportadores de soluto 16 (transportadores de ácido monocarboxílico), miembro 3 (SLC16A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004870	Defecto en la utilización de manosa-P-dolicol 1 (MPDU1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004768	Factor de corte y empalme, rica en arginina/serina 11 (SFRS11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004636	Dominio sema, dominio de inmunoglobulina (Ig), dominio básico corto, secretada, (semaforina) 3B (SEMA3B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004753	Hidrogenasa/reductasa de cadena corta 1 (SDR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004168	Complejo succinato deshidrogenasa, subunidad A, flavoproteína (Fp) (SDHA) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_004713	Antígeno de cáncer de colon definido serológicamente 1 (SDCCAG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004591	Subfamilia de citocina inducible pequeña A (Cys-Cys), miembro 20 (SCYA20) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004590	Subfamilia de citocina inducible pequeña A (Cys-Cys), miembro 16 (SCYA16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004588	Canal de sodio, dependiente de voltaje, tipo II, polipéptido beta (SCN2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004165	Relacionado con Ras asociado a la diabetes (RRAD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004755	Proteína S6 cinasa ribosómica, 90 kD, polipéptido 5 (RPS6KB5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004586	Proteína S6 cinasa ribosómica, 90 kD, polipéptido 3 (RPS6KB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004790	Familia de transportadores de soluto 22 (transportador de aniones orgánicos), miembro 6 (SLC22A6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004259	Tipo proteína RecQ 5 (RECQL5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004260	Tipo proteína RecQ 4 (RECQL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004583	RAB5C, miembro de la familia del oncogén RAS (RAB5C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004582	Rab geranilgeraniltransferasa, subunidad beta (RABGGTB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004581	Rab geranilgeraniltransferasa, subunidad alfa (RABGGTA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004251	RAB9, miembro de la familia del oncogén RAS (RAB9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004162	RAB5A, miembro de la familia del oncogén RAS (RAB5A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004578	RAB4, miembro de la familia del oncogén RAS (RAB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004914	RAB36, miembro de la familia del oncogén RAS (RAB36) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004580	RAB27A, miembro de la familia del oncogén RAS (RAB27A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004663	RAB11A, miembro de la familia del oncogén RAS (RAB11A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004160	Péptido YY (PYY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004103	Proteína tirosina cinasa 2 beta (PTK2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004158	Persefina (PSPN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004577	Fosfoferina fosfatasa (PSPH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004159	Subunidad de proteasoma (prosome, macropaina), tipo beta, 8 (proteasa multifuncional grande 7) (PSMB8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004917	Calicreína 4 (prostasa, matriz del esmalte, próstata) (KLK4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004157	Proteína cinasa, dependiente de AMPc, regulador, tipo II, alfa (PRKAR2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004758	Proteína asociada a receptor periférico de benzodiazepinas 1 (PRAX-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004576	Proteína fosfatasa 2 (antiguamente 2A), subunidad reguladora B (PR 52), isoforma beta (PPP2R2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004156	Proteína fosfatasa 2 (antiguamente 2A), subunidad catalítica, isoforma beta (PPP2CB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000942	Peptidilprolil isomerasa B (ciclofilina B) (PPIB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004575	Dominio POU, clase 4, factor de transcripción 2 (POU4F2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004573	Fosfolipasa C, beta 2 (PLCB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004572	Placofilina 2 (PKP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004571	PBX/knotted 1 caja homeótica 1 (PKNOX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004203	Cinasa inhibidora de cdc2 específica de treonina y tirosina asociada a membrana (PKMYT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004910	Proteína de transferencia de fosfatidilinositol, asociada a membrana (PITPNM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004278	Fosfatidilinositol glucano, clase L (PIGL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004569	Fosfatidilinositol glucano, clase H (PIGH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004855	Fosfatidilinositol glucano, clase B (PIGB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004862	Factor TNF-alfa inducido por LPS (PIG7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004878	Prostaglandina E sintasa (PTGES) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004567	6-fosfofructo-2-cinasa/fructosa-2,6-bifosfatasa 4 (PFKFB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004566	6-fosfofructo-2-cinasa/fructosa-2,6-bifosfatasa 3 (PFKFB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
N'M_004836	Cinasa 3 del factor de iniciación de la traducción eucariota 2-alfa (EIF2AK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004716	Proteína convertasa subtilisina/quexina tipo 7 (PCSK7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000437	Acetilhidrolasa 2 del factor activador de plaquetas (40 kD) (PAFAH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004199	Procolágeno-prolina, 2-oxoglutarato 4-dioxigenasa (prolina 4-hidroxilasa), polipéptido alfa II (P4HA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004154	Receptor P2Y pirimidinérgico, acoplado a proteína -G, 6 (P2RY6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004280	Factor 1 de elongación de la traducción en eucariotas épsilon 1 (EEF1E1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004741	Fosfoproteína nucleolar p130 (P130) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004802	Otoferlina (OTOF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004852	Miembro de la familia 2 del dominio one cut (ONECUT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004254	Miembro 8 de la familia transportadora de solutos 22 (transportador de aniones orgánicos), (SLC22A8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004298	Nucleoporina 155 kD (NUP155) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004560	Receptor 2 huérfano análogo al receptor de la tirosina cinasa (ROR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004822	Netrina 1 (NTN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004796	Neurexina 3 (NRXN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004558	Neurturina (NRTN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004688	Interactor N-myc (y STAT) (NM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004148	Ninjurina 1 (NINJ1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004552	Proteína Fe-S 5 de la NADH deshidrogenasa (ubiquinona) (15 kD) (NADH-coenzima Q reductasa) (NDUFS5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004551	Proteína Fe-S 3 de la NADH deshidrogenasa (ubiquinona) (30 kD) (NADH-coenzima Q reductasa) (ND1JFS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004550	Proteína Fe-S 2 de la NADH deshidrogenasa (ubiquinona) (49 kD) (NADH-coenzima Q reductasa) (NDUFS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004540	Molécula 2 de adhesión celular neural (NCAM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004644	Subunidad beta 2 del complejo 3 de proteínas relacionadas con el adaptador, (AP3B2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004538	Proteína 1 tipo 3 de ensamblaje de nucleosomas (NAP1L3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004145	Miosina DCB (MY09B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004294	Factor de liberación de la traducción mitocondrial 1 (MTRF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004923	Metalotioneína tipo 5, específica de testículo (tesmina) (MTL5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004143	Cbp/p300 que interacciona con transactivador, con dominio del extremo carboxilo rico en Glu/Asp rica, 1 (CITED1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004279	Peptidasa (procesamiento mitocondrial) beta (PMPCB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004531	Síntesis del cofactor 2 de molibdeno (MOCS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004244	Antígeno CD 163 (CD 163) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004528	Glutación S-transferasa 3 microsómica (MGST3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004225	Secuencias amplificadas de MFH con repeticiones en tándem ricas en leucina 1 (MASL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002372	Miembro 1 de la clase 2A de la alfa manosidasa (MAN2A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004721	Proteína cinasa cinasa cinasa activada por mitógeno 13 (MAP3K13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002332	Proteína 1 relacionada con proteína de baja intensidad (receptora de la alfa-2-macroglobulina) (LRP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004793	Serina proteasa 15 (PRSS15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004789	Caja homeótica LIM de la proteína 2 (LHX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004863	Subunidad 2 de la base de cadena larga de la serina palmitoiltransferasa (SPTLC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004737	Similar a glucosiltransferasa (LARGE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004795	Klotho (KL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004521	Miembro 5B de la familia de quinesina (KIF5B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004520	Miembro 2 de la cadena pesada de la quinesina (KIF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004920	Tirosina cinasa asociada a apoptosis (AATK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004700	Miembro 4 de la subfamilia tipo KQT del canal de potasio regulado por tensión (KCNQ4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004519	Miembro 3 de la subfamilia tipo KQT del canal de potasio regulado por tensión (KCNQ3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004518	Miembro 2 de la subfamilia tipo KQT del canal de potasio regulado por tensión (KCNQ2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004137	Miembro beta 1 de la subfamilia M del canal de potasio activado por elevada conductancia de calcio (KCNMB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004732	Miembro beta 3 de la subfamilia relacionada con shaker del canal de potasio regulado por tensión (KCNAB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004693	Citoqueratina tipo II (K6HF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004791	Integrina, tipo beta 1 (con dominios de repetición tipo EGF) (ITGBL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004517	Cinasa unida a integrina (ILK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004514	Factor de unión a potenciador de interleucina 1 (ILF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004633	Receptor de interleucina 1, tipo II (IL1R2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004513	Interleucina 16 (factor quimioatractor de linfocitos) (IL16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004512	Receptor de interleucina 11, alfa (IL11RA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004258	Superfamilia de inmunoglobulina, miembro 2 (IGSF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004135	Isocitrato deshidrogenasa 3 (NAD ⁺) gamma (IDH3G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004134	Proteína de choque térmico de 70 kD 9B (mortalina-2) (HSPA9B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004697	Factor de corte y empalme de PRP4/STK/WD (HPRP4P) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004698	Factor de corte y empalme de ARN asociado a U4/U6 (HPRP3P) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004503	Caja homeótica C6 (HOXC6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004502	Caja homeótica B7 (HOXB7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004497	Factor nuclear de hepatocitos 3, gamma (HNF3G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004496	Factor nuclear de hepatocitos 3, alfa (HNF3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004712	Sustrato de tirosina cinasa regulado por factor de crecimiento de hepatocitos (HGS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004834	Proteína cinasa cinasa cinasa cinasa activada por mitógeno 4 (MAP4K4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004494	Factor de crecimiento derivado de hepatoma (tipo proteína 1 del grupo de elevada movilidad) (HDGF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004876	Proteína de dedos de cinc 254 (ZNF254) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004493	Hidroxiacil-Coenzima A deshidrogenasa, tipo II (HADH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004904	Proteína de unión a elemento de respuesta de AMPc CRE-BPa (H_GS165L15.1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004893	Familia de histona H2A, miembro Y (H2AFY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004130	Glicogenina (GYG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004286	Proteína unión a GTP 1 de (GTPBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004128	Factor transcripción general IIF, polipéptido 2 (subunidad de 30 kD) (GTF2F2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004491	Factor de unión a ADN de receptor glucocorticoide 1 (GRLF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000826	Receptor de glutamato, ionotrópico, AMPA 2 (GRIA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004490	Proteína de unión a receptor de factor de crecimiento 14 (GRB14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004810	Proteína adaptadora relacionada con GRB2 2 (GRAP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004224	Receptor acoplado a proteína G 50 (GPR50) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004871	Miembro del complejo receptor de SNAP en golgi 1 (GOSR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004487	Autoantígeno del golgi, subfamilia de golgina b, macrogolgina (con señalización transmembrana), 1 (GOLGB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004126	Proteína de unión a nucleótidos de guanina 11 (GNG11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004297	Proteína de unión a nucleótidos de guanina 11 (proteína G), alfa 14 (GNA14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004246	Receptor peptídico tipo glucagón 2 (GLP2R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004123	Polipéptido inhibidor gástrico (GIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004121	Actividad tipo 1 de la gamma-glutamyltransferasa (GGTLA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004837	Geranilgeranil difosfato sintasa 1 (GGPS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004188	Factor de crecimiento independiente 1B (posible regulador de CDKN1A, translocado en CML) (GFI1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004293	Guanina desaminasa (GDA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004751	Glucosaminil (N-acetil) transferasa 3, tipo mucina (GCNT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004193	Factor 1 de resistencia a brefeldina A específico de golgi (GBF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002030	Tipo receptor peptídico de formilo 2 (FPRL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004476	Folato hidrolasa 1 (antígeno de membrana específico de próstata) (FOLH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004119	Tirosina cinasa relacionada con fms 3 (FLT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004475	Flotilina 2 (FLOT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004472	Caja forkhead D1 (FOXO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004471	Caja forkhead G1A (FOXG1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004474	Caja forkhead D2 (FOXD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004469	Factor de crecimiento inducido por c-fos (factor de crecimiento endotelial vascular D) (FIGF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004468	Cuatro dominios 3 y medio LIM (FHL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004462	Farnesil-difosfato farnesiltransferasa 1 (FDFT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004107	Fragmento Fc de IgG, receptor, transportador, alfa (FCGRT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004104	Ácido graso sintasa (FASN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004461	ARNt sintetasa tipo fenilalanina (FARSL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004101	Receptor tipo 2 del factor de coagulación II (trombina) (F2RL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004235	Factor 4 tipo Kruppel (intestino) (KLF4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004455	Exostosas (múltiples) tipo 1 (EXTL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004454	Variante ets del gen 5 (molécula relacionada con ets) (ETV5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004453	Flavoproteína deshidrogenasa de transferencia de electrones (ETFDH) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_004452	Receptor relacionado con estrógeno beta (ESRRB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004911	Proteína relacionada con la proteína disulfuro isomerasa (proteína de unión a calcio, relacionada con intestino) (ERP70) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004447	Sustrato de la ruta del receptor de factor de crecimiento epidérmico 8 (EPS8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004446	Glutamil-prolil-ARNt sintetasa (EPRS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004431	EphA2 (EPHA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004099	Proteína de membrana de eritrocitos banda 7.2 de la (estomatina) (EPB72) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004437	Proteína de membrana de eritrocitos banda 4.1 (eliptocitosis 1, ligada a RH) (EPB41) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_00443	Endonucleasa G (ENDOG) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_004434	Tipo proteína asociada a microtúbulos de equinodermo (EMAPL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004433	Factor tipo E74 3 (factor de transcripción del dominio ets, específico de epitelio) (ELF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004096	Proteína 2 de unión a factor de inicio de la traducción eucariota 4E (EIF4EBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004095	Proteína 1 de unión a factor de inicio de la traducción eucariota 4E (EIF4EBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004430	Respuesta de crecimiento temprano 3 (EGR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004093	Efrina-B2 (EFNB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004429	Efrina-B1 (EFNB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004428	Efrina-A1 (EFNA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004867	Proteína integral de membrana 2A (ITM2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004415	Desmoplaquina (DPI, DII) (DSP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004760	Serina/treonina cinasa 17a (inductora de apoptosis) (STK17A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004413	Dipeptidasa 1 (renal) (DPEP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004088	Desoxinucleotidiltransferasa, terminal (DNTT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004412	ADN (citosina-5-)-metiltransferasa 2 (DNMT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004411	Dineína, citoplásmica, polipéptido 1 intermedio (DNCI1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004407	Fosfoproteína ácida de matriz de dentina (DMP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004746	Discos, proteína asociada a homólogo grande 1 (<i>Drosophila</i>) (DLGAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004747	Discos, homólogo grande 5 (<i>Drosophila</i>) (DLG5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004087	Discos, homólogo grande 1 (<i>Drosophila</i>) (DLG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004900	Forbolina (similar a proteína editora del ARNm de apolipoproteína B) (DJ742C19.2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004404	Expresada en célula precursora neural, regulada por disminución por el desarrollo 5 (NEDD5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004402	Factor de fragmentación de ADN, 40 kD, polipéptido beta (ADNasa activada por caspasa) (DFFB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004401	Factor de fragmentación de ADN, 45 kD, polipéptido alfa (DFFA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004083	Transcrito 3 inducible por daño al ADN (DDIT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004734	Doblecortina y CaM cinasa tipo 1 (DCAMKL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004394	Proteína asociada a muerte (DAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004393	Distroglucano 1 (glucoproteína asociada a distrofina 1) (DAG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004229	Cofactor requerido para la activación por transcripción de Sp1, subunidad 2 (150 kD) (CRSP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004079	Catepsina S (CTSS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004390	Catepsina H (CTSH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004388	Quitobiasa, di-N-acetil- (CTBS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004387	Caja homeótica específica cardíaca (CSX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004861	Cerebrósido (3'-fosfoadenililsulfato:galactosilceramida 3') sulfotransferasa (CST) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004078	Proteína rica en cisteína y glicina 1 (CSRP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004386	Proteoglucano de condroitín sulfato 3 (neurocano) (CSPG3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004385	Proteoglucano de condroitín sulfato 2 (versicano) (CSPG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004384	Caseína cinasa 1, gamma 3 (CSNK1G3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004383	C-src tirosina cinasa (CSK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004075	Criptocromo 1 (tipo fotoliasa) (CRY1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004778	Receptor acoplado a proteína G 44 (GPR44) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004750	Factor tipo receptor de citocina 1 (CRLF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004382	Receptor de hormona de liberación de corticotropina 1 (CRHR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004379	Proteína de unión a elemento sensible a cAMP 1 (CREB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004377	Carnitina palmitoiltransferasa I, músculo (CPT1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004748	Proteína 8 de progresión del ciclo celular (CPR8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004074	Subunidad VIII de citocromo c oxidasa (COX8) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_004766	Complejo proteico de coatómero, subunidad beta 2 (beta prima) (COPB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004645	Coilina (COIL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000614	Factor neurotrófico ciliar (CNTF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004368	Calponina 2 (CNN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004072	Receptor 1 tipo quimiocina (CMKLR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004071	Cinasa 1 tipo CDC (CLK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004362	Calmegina (CLGN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004070	Canal de cloruro Ka (CLCNKA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004804	Proteína WD40 Ciao1 (CIAO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004267	Hidrato de carbono (condroitina 6/queratano) sulfotransferasa 2 (CHST2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004067	Quimerina (quimaerina) 2 (CHN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004284	Tipo proteína tipo de unión a ADN del cromodominio de helicasa 1 (CHD1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004364	Proteína de unión a CCAAT/potenciador (C/EBP), alfa (CEBPA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004065	Proteína relacionada con la degeneración cerebelar (34 kD) (CDR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004233	Antígeno CD83 (linfocitos B activados, superfamilia de las inmunoglobulinas) (CD83) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004356	Antígeno CD81 (diana del anticuerpo 1 antiproliferativo) (CD81) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004357	Antígeno CD151 (CD151) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004350	Factor de transcripción relacionado con runt 3 (RUNX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004349	Factor de unión a núcleo, dominio runt, subunidad alfa 2; translocado a 1; relacionado con ciclina D (CBFA2T1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004345	Péptido antimicrobiano de catelicidina (CAMP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000722	Canal de calcio, dependiente de tensión, subunidad alfa 2/delta 1 (CACNA2D1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004334	Antígeno de célula estromal de médula ósea 1 (BST1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004887	Subfamilia de citocinas inducibles pequeñas B (Cys-X-Cys), miembro 14 (BRAK) (SCYB14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004333	Homólogo de oncogén vírico de sarcoma de murino v-raf B1 (BRAF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004329	Receptor de proteína morfogenética ósea, tipo IA (BMPR1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004827	Casete de unión a ATP, sub-familia G (WHITE), miembro 2 (ABCG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004326	CLL de linfocitos B/linfoma 9 (BCL9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004765	CLL de linfocitos B/linfoma 7C (BCL7C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004324	Proteína X asociada a BCL2 (BAX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004656	Proteína asociada a BRCA1 1 (hidrolasa del extremo carboxilo de ubiquitina) (BAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004048	Beta-2-microglobulina (B2M) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004655	Axina 2 (conductina, axil) (AXIN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004321	Transporte axonal de vesículas sinápticas (ATSV) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004888	ATPasa, transporte de H ⁺ , lisosómica (bomba de protones vacuolar), miembro J (ATP6J) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004047	ATPasa, transporte de H ⁺ , lisosómica (bomba de protones vacuolar) 21 kD (ATP6F) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004046	ATP sintasa, transporte de H ⁺ , complejo mitocondrial F1, subunidad alfa, isoforma 1, músculo cardíaco (ATP5A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001683	ATPasa, transporte de Ca ⁺⁺ , membrana plasmática 2 (ATP2B2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004314	ADP-ribosiltransferasa 1 (ART1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004313	Arrestina, beta 2 (ARRB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004312	Arrestina 3, retinal (X-arrestina) (ARR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_004311	Tipo factor de ribosilación de ADP 3 (ARL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004675	Familia del gen homólogo de ras, miembro I (ARHI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004310	Familia del gen homólogo de ras, miembro H (ARHH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004309	Inhibidor de la disociación de Rho GDP (GDI) alfa (ARHGDI) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004308	Proteína activadora de Rho GTPasa 1 (ARHGAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004040	Familia génica de homólogo ras, miembro B (ARHB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004290	Proteína de dedo anular 14 (TINF14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004797	Transcrito del gen de la adiposa más abundante 1 (APM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004039	Anexina A2 (ANXA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004306	Anexina A13 (ANXA13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004038	Amilasa alfa 1A; salival (AMY1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004305	Integrador puente 1 (BIN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004857	Proteína de anclaje a cinasa A 5 (PRKA) (AKAP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004833	Ausente en melanoma 2 (AIM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004208	Muerte celular programada 8 (factor inductor de apoptosis) (PBCD8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002199	Factor regulador de interferón 2 (IRF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001569	Cinasa asociada a receptor de interleucina-1 1 (IRAK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001567	Inositol polifosfato fosfatasa tipo 1 (INPPL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002194	Inositol polifosfato-1-fosfatasa (INPP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002111	Huntingtina (enfermedad de Huntington) (HD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000165	Proteína de unión comunicante, alfa 1, 43 kD (conexina 43) (GJA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001999	Fibrilina 2 (aracnodactilia contractural congénita) (FBN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001937	Dermatopontina (DPT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001381	Proteína de acoplamiento 1, 62 kD (en la dirección 3' de tirosina cinasa 1) (DOK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000729	Colecistoquinina (CCK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000486	Acuaporina 2 (conducto colector) (AQP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001520	Factor de transcripción general IIIC, polipéptido 1 (subunidad alfa, 220 kD) (GTF3C1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002097	Factor de transcripción general IIIA (GTF3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003205	Factor de transcripción 12 (HTF4, factores de transcripción hélice-bucle-hélice 4) (TCF12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000440	Fosfodiesterasa 6A, específica de GMPc, bastoncillo, alfa (PDE6A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000806	Receptor A de ácido gamma-aminobutírico (GABA), alfa 1 (GABRA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001809	Proteína de centrómero A (17 kD) (CENPA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000439	Proteína convertasa subtilisina/quexina tipo 1 (PCSK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002529	Tirosina cinasa neurotrófica, receptor, tipo 1 (NTRK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003417	Proteína de dedos de cinc 264 (ZNF264) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000395	Receptor 2 del factor estimulante de colonias, beta, baja afinidad (granulocitos-macrófagos) (CSF2RB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000065	Componente del complemento 6 (C6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000252	Miopatía miotubular 1 (MTM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000229	Lecitina-colesterol aciltransferasa (LCAT) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial de la ARNm
NM_000224	Queratina 18 (KRT18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000211	Integrina, beta 2 (antígeno CD18 (p95), antígeno asociado a la función de los linfocitos 1; antígeno de macrófagos 1 (mac-1) subunidad beta) (ITGB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000208	Receptor de insulina (INSR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000206	Receptor de interleucina 2, gamma (inmunodeficiencia grave combinada) (IL2RG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000416	Receptor de interferón gamma 1 (IFNGR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000201	Molécula de adhesión intercelular 1 (CD54), receptor de rinovirus humano (ICAM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000350	Casete de unión a ATP, sub-familia A (ABC1), miembro 4 (ABCA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000110	Dihidropirimidina deshidrogenasa (DPYD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000375	Uroporfirinógeno III sintasa (porfiria eritropoyética congénita) (UROS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000459	Tirosina cinasa TEK endotelial (malformaciones venosas, cutáneas múltiples y mucosales) (TEK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001053	Receptor de somatostatina 5 (SSTR5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001052	Receptor de somatostatina 4 (SSTR4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001051	Receptor de somatostatina 3 (SSTR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001050	Receptor de somatostatina 2 (SSTR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001049	Receptor de somatostatina 1 (SSTR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000348	Esteroido-5-alfa-reductasa, polipéptido alfa 2 (3-oxo-5 alfa-esteroide delta 4-deshidrogenasa alfa 2) (SRD5A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000340	Familia de transportadores de solutos 2 (transportador facilitado de la glucosa), miembro 2 (SLC2A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000338	Familia de transportadores de solutos 12 (transportadores de sodio/potasio/cloruro), miembro 1 (SLC12A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
>fM_000231	Sarcoglucano, gamma (glucoproteína de 35 kD asociada con distrofina) (SGCG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001034	Polipéptido M2 de ribonucleótido reductasa (RRM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000448	Gen activador de la recombinación 1 (RAG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000303	Fosfomanomutasa 2 (PMM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000302	Procolágeno-lisina, 2-oxoglutarato 5-dioxigenasa (lisina hidroxilasa, síndrome de Ehlers-Danlos tipo VI) (PLOD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000282	Propionil Coenzima A carboxilasa, polipéptido alfa (PCCA) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_000281	6-piruvil-tetrahidropterina sintasa/cofactor de dimerización del factor nuclear de hepatocitos 1 alfa (TCFa) (PCBD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000277	Fenilalanina hidroxilasa (PAH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000436	3-oxoácido CoA transferasa (OXCT) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial de la ARNm
NM_000274	Ornitina aminotransferasa (atrofia girata) (OAT) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_000273	Albinismo ocular 1 (síndrome de Nettleship-Falls) (OA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000272	Nefronoptosis 1 (juvenil) (NPHP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000271	Enfermedad de Niemann-Pick, tipo C1 (NPC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000269	Células no metastásicas 1, proteína (NM23A) expresada en (NME1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000268	Neurofibromina 2 (neuroma acústico bilateral) (NF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000267	Neurofibromina 1 (neurofibromatosis, enfermedad de von Recklinghausen, enfermedad de Watson) (NF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000434	Sialidasa 1 (sialidasa lisosómica) (NEU1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000266	Enfermedad de Norrie (pseudoglioma) (NDP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000265	Factor citosólico de neutrófilos 1 (47 kD, enfermedad granulomatosa crónica, autosómica 1) (NCF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000262	N-acetilgalactosaminidasa, alfa (NAGA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000261	Miocilina, respuesta glucocorticoide inducible en forma de malla trabecular (MYOC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000258	Miosina, polipéptido ligero 3, álcali; ventricular, esquelético, lento (MYL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000432	Miosina, polipéptido ligero 2, regulador, cardíaco, lento (MYL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000257	Miosina, polipéptido pesado 7, músculo cardíaco, beta (MYH7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000431	Mevalonato cinasa (aciduria mevalónica) (MVK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000255	Metilmalonil Coenzima A mutasa (MUT) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_000254	5-metiltetrahidrofolato-homocisteína metiltransferasa (MTR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000253	Proteína de transferencia de triglicéridos microsómicos (polipéptido grande, 88 kD) (MTP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000250	Mieloperoxidasa (MPO) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_000248	Factor de transcripción asociado a microftalmia (MITF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000247	Secuencia relacionada con el polipéptido de MHC clase I A (MICA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000246	Transactivador de MHC clase II (MHC2TA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000245	Proto-oncogén met (receptor del factor de crecimiento de hepatocitos) (MET) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000244	Neoplasia endocrina múltiple I (MEN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000243	Fiebre mediterránea (MEFV) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000242	Lectina de unión a manosa (proteína C) 2, soluble (defecto opsónico) (MBL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000429	Metionina adenosiltransferasa I, alfa (MAT1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000240	Monoamina oxidasa A (MAOA) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_000428	Proteína de unión a factor beta de crecimiento transformante latente 2 (LTBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000238	Canal de potasio regulado por tensión, subfamilia H (relacionado con eag), miembro 2 (KCNH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000237	Lipoproteína lipasa (LPL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000427	Loricrina (LOR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000236	Lipasa, hepática (LIPC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000235	Lipasa A, ácido lisosómico, colesterol esterasa (enfermedad de Wolman) (LIPA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000234	Ligasa I, ADN, dependiente de ATP (LIG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000233	Hormona luteinizante/receptor de la coriogonadotropina (LHCGR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000228	Laminina, beta 3 (niceína (125 kD), calinina (140 kD), BM600 (125 kD)) (LAMB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000426	Laminina, alfa 2 (merosina, distrofia muscular congénita) (LAMA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000226	Queratina 9 (queratodermia palmoplantar epidermolítica) (KRT9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000422	Queratina 17 (KRT17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000223	Queratina 12 (distrofia de Meesmann de la córnea) (KRT12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000421	Queratina 10 (hiperqueratosis epidermolítica; queratosis palmar y plantar) (KRT10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000222	Homólogo del oncogén vírico de sarcoma felino v-kit Hardy-Zuckerman 4 (KIT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000218	Canal de potasio regulado por tensión, subfamilia tipo KQT, miembro 1 (KCNQ1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000219	Canal de potasio regulado por tensión, familia relacionada con Isk, miembro 1 (KCNE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000217	Canal de potasio regulado por tensión, subfamilia relacionada con shaker, miembro 1 (ataxia episódica con mioquimia) (KCNA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000216	Secuencia 1 del síndrome de Kallmann (KAL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000215	Cinasa de Janus 3 (una proteína tirosina cinasa, leucocito) (JAK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000212	Integrina, beta 3 (glucoproteína de plaquetas IIIa, antígeno CD61) (ITGB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000209	Factor promotor de insulina 1, factor de transcripción del homeodominio (IPF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000207	Insulina (INS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000418	Receptor de interleucina 4 (IL4R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000417	Receptor de interleucina 2, alfa (IL2RA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001551	Proteína de unión a la inmunoglobulina (CD79A) 1 (IGBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000203	Iduronidasa, alfa-L- (IDUA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000415	Polipéptido amiloide de islote (IAPP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000200	Histatina 3 (HTN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001538	Factor de transcripción de choque térmico 4 (HSF4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000859	3-hidroxi-3-metilglutaril-Coenzima A reductasa (HMGCR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001527	Histona desacetilasa 2 (HDAC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001525	Receptor de hipocretina (orexina) 1 (HCRTR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001524	Precursor de neuropéptido de hipocretina (orexina) (HCRT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001510	Receptor de glutamato, ionotrópico, delta 2 (GRID2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000829	Receptor de glutamato, ionotrófico, AMPA 4 (GRIA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001496	Receptor de la familia GDNF alfa 3 (GFRA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001486	Proteína reguladora de glucocinasa (hexocinasa 4) (GCKR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000820	Específica de la detención del crecimiento 6 (GAS6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000155	Galactosa-1-fosfato uridililtransferasa (GALT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000153	Galactosilceramidasa (enfermedad de Krabbe) (GALC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000816	Receptor A de ácido gamma-aminobutírico (GABA), gamma 2 (GABRG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000815	Receptor A de ácido gamma-aminobutírico (GABA), delta (GABRD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000811	Receptor A de ácido gamma-aminobutírico (GABA), alfa 6 (GABRA6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000809	Receptor A de ácido gamma-aminobutírico (GABA), alfa 4 (GABRA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000808	Receptor A de ácido gamma-aminobutírico (GABA), alfa 3 (GABRA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000807	Receptor A de ácido gamma-aminobutírico (GABA), alfa 2 (GABRA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000151	Glucosa-6-fosfatasa, catalítica (enfermedad de almacenamiento de glucógeno tipo I, enfermedad de von Gierke) (G6PC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001452	Caja forkhead F2 (FOXF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000138	Fibrilina 1 (síndrome de Marfan) (FBN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000136	Anemia de Fanconi, grupo de complementación C (FANCC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001445	Proteína de unión a ácido graso 6, ileal (gastrotropina) (FABP6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001442	Proteína de unión a ácido graso 4, adipocito (FABP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001443	Proteína de unión a ácido graso 1, hígado (FABP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001441	Amida hidrolasa de ácido graso (FAAH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000401	Exostosas (múltiples) 2 (EXT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000127	Exostosas (múltiples) 1 (EXT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001433	Señalización de RE a núcleo 1 (ERN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000122	Deficiencia reparadora de roedor de complementación cruzada con reparación por escisión, grupo de complementación 2 (complementación del grupo B de xerodermia pigmentosa) (ERCC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000121	Receptor de la eritropoyetina (EPOR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000120	Epóxido hidrolasa 1, microsómica (xenobiótico) (EPHX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000119	Proteína de membrana de eritrocitos banda 4.2 (EPB42) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001429	Proteína de unión a E1A p300 (EP300) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000118	Endogлина (síndrome de Osler-Rendu-Weber 1) (ENG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000117	Emerina (distrofia muscular de Emery-Dreifuss) (EMD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001422	Factor 5 tipo E74 (factor de transcripción del dominio ets) (ELF5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000114	Endotelina 3 (EDN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001393	Proteína de matriz extracelular 2, órgano femenino y específica de adipocitos (ECM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000112	Familia de transportadores de solutos 26 (transportador de sulfatos), miembro 2 (SLC26A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001382	Dolicil-fosfato (UDP-N-acetilglucosamina) N-acetilglucosamina fosfotransferasa 1 (GlcNAc-1-P transferasa) (DPAGT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001365	Discos, homólogo grande (<i>Drosophila</i>) 4 (DLG4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000792	Desyodinasas, yodotironina, tipo I (DIO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001358	Polipéptido de caja DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) 15 (DDX15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000107	Proteína de unión a ADN específica de daño 2 (48 kD) (DDB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001348	Proteína cinasa asociada a muerte 3 (DAPK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000101	Citocromo b-245, polipéptido alfa (CYBA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001081	Cubilina (receptor de cobalamina del factor intrínseco) (CUBN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001334	Catepsina O (CTSO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001328	Proteína de unión al extremo C 1 (CTBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000554	Caja homeótica de conos-bastoncillos (CRX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000096	Ceruloplasmina (ferroxidasa) (CP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000095	Proteína de la matriz oligomérica de cartílago (pseudoacondroplasia, displasia epifisaria 1, múltiple) (COMP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000392	Casete de unión a ATP, sub-familia C (CFTR/MRP), miembro 2 (ABCC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000085	Canal de cloruro Kb (CLCNKB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000084	Canal de cloruro 5 (nefrolitiasis 2, ligada a X, enfermedad de Dent) (CLCN5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001279	Efactor a tipo DFFA inductor de muerte celular (CIDEA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000080	Receptor colinérgico, nicotínico, polipéptido épsilon (CHRNE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000751	Receptor colinérgico, nicotínico, polipéptido delta (CHRNA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000747	Receptor colinérgico, nicotínico, polipéptido beta 1 (músculo) (CHRNA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000079	Receptor colinérgico, nicotínico, polipéptido alfa 1 (músculo) (CHRNA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001273	Proteína de unión a ADN del cromodominio de helicasa 4 (CHD4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001271	Proteína de unión a ADN del cromodominio de la helicasa 2 (CHD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001270	Proteína de unión a ADN del cromodominio de la helicasa 1 (CHD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000078	Proteína de transferencia de colesteril éster, plasma (CETP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000076	Inhibidor de cinasa dependiente de ciclina 1C (p57, Kip2) (CDK1IC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001258	Cinasa dependiente de ciclina 3 (CDK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001251	Antígeno CD68 (CD68) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000074	Superfamilia del factor de necrosis tumoral (ligando), miembro 5 (síndrome de hiper-IgM) (TNFSF5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000073	Antígeno CD3G, polipéptido gamma (complejo TiT3) (CD3G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001249	Ectonucleósido trifosfato difosfohidrolasa 5 (ENTPD5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001248	Ectonucleósido trifosfato difosfohidrolasa 3 (ENTPD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001246	Ectonucleósido trifosfato difosfohidrolasa 2 (ENTPD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000072	Antígeno CD36 (receptor de colágeno tipo I, receptor de trombospondina) (CD36) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000591	Antígeno CD14 (CD14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000071	Cistationina-beta-sintasa (CBS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000388	Receptor de sensibilización al calcio (hipercalcemia hipocalciúrica 1, hiperparatiroidismo neonatal grave) (CASR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000070	Calpaína 3, (p94) (CAPN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000069	Canal de calcio, dependiente de tensión, tipo L, subunidad alfa 1S (CACNA1S) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001215	Anhidrasa carbónica VI (CA6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000067	Anhidrasa carbónica II (CA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000606	Componente del complemento 8, polipéptido gamma (C8G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000066	Componente del complemento 8, polipéptido beta (C8B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000562	Componente del complemento 8, polipéptido alfa (C8A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000587	Componente del complemento 7 (C7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000064	Componente del complemento 3 (C3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000061	Tirosina cinasa de agammaglobulinemia de Bruton (BTK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001206	Proteína de unión al elemento de transcripción básica 1 (BTEB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000060	Biotinidasa (BTD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001201	Proteína morfogenética ósea 3 (osteogénica) (BMP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001200	Proteína morfogenética ósea 2 (BMP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000386	Bleomicina hidrolasa (BLMH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000057	Síndrome de Bloom (BLM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001198	Dominio PR que contiene 1, con el dominio ZNF (PRDM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001196	Dominio agonista de muerte que interacciona con BH3 (BID) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000056	Cetoácido deshidrogenasa de cadena ramificada E1, polipéptido beta (enfermedad de la orina con olor a jarabe de arce) (BCKDHB) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_000465	BRCA1 asociada a dominio RING 1 (BARD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000705	ATPasa, que intercambia H ⁺ /K ⁺ , polipéptido beta (ATP4B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000049	Aspartoacilasa (aminoacilasa 2, enfermedad de Canavan) (ASPA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000046	Arilsulfatasa B (ARSB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000639	Superfamilia del factor de necrosis tumoral (ligando), miembro 6 (TNFSF6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000042	Apolipoproteína H (beta-2-glucoproteína 1) (APOH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000041	Apolipoproteína E (APOE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000040	Apolipoproteína C-III (APDC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000039	Apolipoproteína A-I (APOA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000038	Poliposis coli adenomatosa (APC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001157	Anexina A11 (ANXA11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001147	Angiopoyetina 2 (ANGPT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001145	Angiogenina, ribonucleasa, familia de ARNasa A, 5 (ANG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000036	Adenosina monofosfato desaminasa 1 (isoforma M) (AMPD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001141	Araquidonato 15-lipoxigenasa, segundo tipo (ALOX15B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000035	Aldolasa B, fructosa-bisfosfato (ALDOB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000034	Aldolasa A, fructosa-bisfosfato (ALDOA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000032	Aminolevulinato, delta, sintasa 2 (anemia sideroblástica/hipocrómica) (ALAS2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica proteína mitocondrial, ARNm
NM_000030	Alanina-glioxilato aminotransferasa (oxalosis I; hiperoxaluria I; glicolicaciduria; serina-piruvato aminotransferasa) (AGXT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001126	Adenilosuccinato sintasa (ADSS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000684	Adrenérgico, beta-1, receptor (ADRB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001125	ADP-ribosilarginina hidrolasa (ADPRH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001116	Adenilato ciclasa 9 (ADCY9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001115	Adenilato ciclasa 8 (cerebro) (ADCY8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001114	Adenilato ciclasa 7 (ADCY7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001109	Dominio de metaloproteínasa y disintegrina a 8 (ADAM8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001110	Dominio de metaloproteínasa y disintegrina a 10 (ADAM 10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001108	Acilfosfatasa 2, tipo músculo (ACYP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001107	Acil fosfatasa 1, tipo eritrocito (común) (ACYP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001104	Actinina, alfa 3 (ACTN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001086	Arilacetamida desacetilasa (esterasa) (AADAC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001043	Familia de transportadores de solutos 6 (transportador de neurotransmisores, noradrenalina), miembro 2 (SLC6A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000532	Propionil Coenzima A carboxilasa, polipéptido beta (PCCB) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_002579	Paralemina (PALM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002443	Microseminoproteína, beta (MSMB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002418	Motilina (MLN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002300	Lactato deshidrogenasa B (LDHB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002243	Canal de potasio rectificado internamente, subfamilia J, miembro 15 (KCNJ15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001534	Caja homeótica 11 tipo 1 (HOX11L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001454	Caja forkhead J1 (FOXJ1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004001	Fragmento Fc de IgG, receptor de baja afinidad IIb (CD32) (FCGR2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001276	Quitinasa 3 tipo 1 (glucoproteína -39 de cartílago) (CHI3L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001752	Catalasa (CAT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001610	Fosfatasa ácida 2, lisosómica (ACP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003461	Zixina (ZYG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003460	Glucoproteína de zona pelúcida 2 (receptor de esperma) (ZP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003459	Familia de transportadores de solutos 30 (transportador de cinc), miembro 3 (SLC30A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003430	Proteína de dedo de cinc 91 (HPF7, HTF10) (ZNF91) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003429	Proteína de dedo de cinc 85 (HPF4, HTF1) (ZNF85) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003428	Proteína de dedo de cinc 84 (HPF2) (ZNF84) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003416	Proteína de dedo de cinc 7 (KOF 4, clon HF.16) (ZNF7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003427	Proteína de dedo de cinc 76 (expresada en testículo) (ZNF76) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003426	Proteína de dedo de cinc 74 (Cos52) (ZNF74) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003425	Proteína de dedo de cinc 45 (un polipéptido de dominio de caja asociada a Kruppel (KRAB)) (ZNF45) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003423	Proteína de dedo de cinc 43 (HTF6) (ZNF43) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003422	Proteína de dedo de cinc 42 (sensible a ácido retinoico específico de mieloides) (ZNF42) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003420	Proteína de dedo de cinc 35 (clon HF.10) (ZNF35) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003458	Fagot (proteína de citomatrix presináptica) (BSN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003456	Proteína de dedo de cinc 205 (ZNF205) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003453	Proteína de dedo de cinc 198 (ZNF198) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003450	Proteína de dedo de cinc 174 (ZNF174) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003447	Proteína de dedo de cinc 165 (ZNF165) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003446	Proteína de dedo de cinc 157 (HZF22) (ZNF157) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003443	Proteína de dedo de cinc 151 (PHZ-67) (ZNF151) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003442	Proteína de dedo de cinc 143 (clon pHZ-1) (ZNF143) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003441	Proteína de dedo de cinc 141 (clon pHZ-44) (ZNF141) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003440	Proteína de dedo de cinc 140 (clon pHZ-39) (ZNF140) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003438	Proteína de dedo de cinc 137 (clon pHZ-30) (ZNF137) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003437	Proteína de dedo de cinc 136 (clon pHZ-20) (ZNF136) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003436	Proteína de dedo de cinc 135 (clon pHZ-17) (ZNF135) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003435	Proteína de dedo de cinc 134 (clon pHZ-15) (ZNF134) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003434	Proteína de dedo de cinc 133 (clon pHZ-13) (ZNF133) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003433	Proteína de dedo de cinc 132 (clon pHZ-12) (ZNF132) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003431	Proteína de dedo de cinc 124 (HZF-16) (ZNF124) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003411	Proteína de dedo de cinc, ligada a Y (ZFY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003410	Proteína de dedo de cinc, ligada a X (ZFX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003405	Proteína de activación de tirosina 3-monooxigenasa/triptófano 5-monooxigenasa, polipéptido eta (YWHAH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003404	Proteína de activación de tirosina 3-monooxigenasa/triptófano 5-monooxigenasa, polipéptido beta (YWHAB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000380	Xerodermia pigmentosa, grupo de complementación A (XPA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003931	Familia de la proteína WAS, miembro 1 (WASF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003384	Cinasa relacionada con variolovacuna 1 (VRK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003383	Receptor de lipoproteína de muy baja densidad (VLDLR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003382	Receptor del péptido intestinal vasoactivo 2 (VIPR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003381	Péptido intestinal vasoactivo (VIP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003380	Vimentina (VIM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003377	Factor de crecimiento endotelial vascular B (VEGFB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003376	Factor de crecimiento endotelial vascular (VEGF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000376	Receptor de vitamina D (1,25-dihidroxitamina D3) (VDR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003375	Canal aniónico dependiente de tensión 2 (VDAC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003374	Canal aniónico dependiente de tensión 1 (VDAC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003371	Oncogén vav 2 (VAV2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003370	Fosfoproteína estimulada por vasodilatador (VASP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003762	Proteína de membrana asociada a vesícula 4 (VAMP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003369	Gen asociado a resistencia a radiación UV (UVRAG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003577	Factor de transcripción de células embrionicas indiferenciadas 1 (UTF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003470	Proteasa específica de ubiquitina 7 (asociada a virus del herpes) (USP7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003481	Proteasa específica de ubiquitina 5 (isopeptidasa T) (USPS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003363	Proteasa específica de ubiquitina 4 (proto-oncogén) (USP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003368	Proteasa específica de ubiquitina 1 (USP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003940	Proteasa específica de ubiquitina 13 (isopeptidasa T-3) (USP13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003367	Factor de transcripción en la dirección 5' 2, que interacciona con c-fos (USF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003366	Proteína nuclear de la ubiquinol-citocromo c reductasa II (UQCRC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003365	Proteína nuclear de la ubiquinol-citocromo c reductasa I (UQCRC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003364	Uridina fosforilasa (UP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003361	Uromodulina (uromucoide, glucoproteína de Tamm-Horsfall) (UMOD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003709	Factor 7 tipo Kruppel (ubicuo) (KLF7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003360	UDP glucosiltransferasa 8 (UDP-galactosa ceramida galactosiltransferasa) (UGT8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001074	Familia de UDP glucosiltransferasa 2, polipéptido B7 (UGT2B7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001077	Familia de UDP glucosiltransferasa 2, polipéptido B17 (UGT2B17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001076	Familia de UDP glucosiltransferasa 2, polipéptido B15 (UGT2B15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001075	Familia de UDP glucosiltransferasa 2, polipéptido B10 (UGT2B10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003359	UDP-glucosa deshidrogenasa (UGDH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003358	UDP-glucosa ceramida glucosiltransferasa (UGCG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003357	Uteroglobina (UGB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003352	Ubiquitina tipo 1 (sentrina) (UBL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003347	Enzima conjugadora de ubiquitina E2L 3 (UBE2L3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003337	Enzima conjugadora de ubiquitina E2B (homóloga de RAD6) (UBE2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003336	Enzima conjugadora de ubiquitina E2A (homóloga de RAD6) (UBE2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003335	Enzima conjugadora de ubiquitina tipo E1 (UBE1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000550	Proteína relacionada con tirosinasa 1 (TYRP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000372	Tirosinasa (albinismo oculocutáneo IA) (TYR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001071	Timidilato sintetasa (TYMS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003331	Tirosina cinasa 2 (TYK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003330	Tiorredoxina reductasa 1 (TXNRD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003329	Tiorredoxina (TXN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003328	Tirosina cinasa TXK (TXK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003324	Proteína tipo redondeado 3 (TULP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003323	Proteína tipo redondeado 2 (TULP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003321	Factor Tu de elongación de la traducción, mitocondrial (TUFM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001070	Tubulina, gamma 1 (TUBG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001069	Tubulina, polipéptido beta (TUBB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000371	Transtirretina (prealbúmina, amiloidosis tipo I) (TTR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000370	Proteína de transferencia del tocoferol (alfa) (ataxia (tipo Friedreich) con deficiencia de vitamina E) (TTPA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003319	Titina (TTN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003318	Proteína cinasa TTK (TTK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003317	Factor de transcripción tiroidea 1 (TTTF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003315	Dominio de repetición de tetratricopéptido 2 (TTC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003314	Dominio de repetición de tetratricopéptido 1 (TTC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003311	Candidato subtransferible supresor del tumor 3 (TSSC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003310	Candidato subtransferible supresor del tumor 1 (TSSC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000369	Receptor de la hormona estimulante de tiroides (TSHR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000549	Hormona estimulante de tiroides, beta (TSHB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003496	Proteína asociada a dominio de transformación/transcripción (TRRAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003301	Receptor de la hormona liberadora de tiotropina (TRHR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003299	Antígeno de rechazo tumoral (gp96) 1 (TRA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003298	Subfamilia del receptor nuclear 2, grupo C, miembro 2 (NR2C2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003296	Proteína específica de testículo 1 (sonda H4-1 p3-1) (TPX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003295	Proteína tumoral, controlada por traducción 1 (TPT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003595	Tirosilproteína sulfotransferasa 2 (TPST2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003292	Región promotora translocada (activada por el oncogén MET) (TPR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003291	Tripeptidil peptidasa U (TPP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000547	Peroxidasa de tiroides (TPO) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_003290	Tropomiosina 4 (TPM4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003289	Tropomiosina 2 (beta) (TPM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000366	Tropomiosina 1 (alfa) (TPM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000365	Triosafosfato isomerasa 1 (TPI1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003288	Proteína D52 tumoral tipo 2 (TPD52L2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003287	Proteína D52 tumoral tipo 1 (TPD52L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003935	Topoisomerasa (ADN) III beta (TOP3B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001067	Topoisomerasa (ADN) II alfa (170 kD) (TOP2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003285	Tenascina R (restrictina, janusina) (TNR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003284	Proteína de transición 1 (durante la sustitución de histona a protamina) (TNP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000364	Troponina T2, cardíaca (TNNT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003283	Troponina T1, esquelética, lenta (TNNT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000363	Troponina I, cardíaca (TNNI3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003282	Troponina I, esquelética, rápida (TNNI2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003281	Troponina I, esquelética, lenta (TNNI1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003279	Troponina C2, rápida (TNNC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003280	Troponina C, lenta (TNNC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003985	Tirosina cinasa, no receptor, 1 (TNK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001244	Superfamilia del factor de necrosis tumoral (ligando), miembro 8 (TNFSF8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001252	Superfamilia del factor de necrosis tumoral (ligando), miembro 7 (TNFSF7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003326	Superfamilia del factor de necrosis tumoral (ligando), miembro 4 (glucoproteína 1 activada transcripcionalmente por tax, 34 kD) (TNFSF4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003808	Superfamilia del factor de necrosis tumoral (ligando), miembro 13 (TNFSF13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003809	Superfamilia del factor de necrosis tumoral (ligando), miembro 12 (TNFSF12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003810	Superfamilia del factor de necrosis tumoral (ligando), miembro 10 (TNFSF10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001243	Superfamilia del receptor del factor de necrosis tumoral, miembro 8 (TNFRSF8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001242	Superfamilia del receptor del factor de necrosis tumoral, miembro 7 (TNFRSF7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000043	Superfamilia del receptor del factor de necrosis tumoral superfamilia, miembro 6 (TNFRSF6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003327	Superfamilia del receptor del factor de necrosis tumoral, miembro 4 (TNFRSF4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001066	Superfamilia del receptor del factor de necrosis tumoral, miembro 1B (TNFRSF1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001065	Superfamilia del receptor del factor de necrosis tumoral, miembro 1A (TNFRSF1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001192	Superfamilia del receptor del factor de necrosis tumoral, miembro 17 (TNFRSF17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003820	Superfamilia del receptor del factor de necrosis tumoral, miembro 14 (mediador de entrada del virus del herpes) (TNFRSF14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003790	Superfamilia del receptor del factor de necrosis tumoral, miembro 12 (proteína de membrana asociada a la cadena de translocación) (TNFRSF12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002546	Superfamilia del receptor del factor de necrosis tumoral, miembro 11b (osteoprotegerina) (TNFRSF11B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003839	Superfamilia del receptor del factor de necrosis, miembro 11a, activador de NFkB (TNFRSF11A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003840	Superfamilia del receptor del factor de necrosis tumoral, miembro 11d, dominio de muerte truncada con señuelo (TNFRSF10D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003842	Superfamilia del receptor del factor de necrosis tumoral, miembro 10b (TNFRSF10B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003844	Superfamilia del receptor del factor de necrosis tumoral, miembro 10a (TNFRSF10A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003276	Timopoyetina (TMPO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003275	Tropomodulina (TMOD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003274	Proteína transmembrana 1 (TMEM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003692	Proteína transmembrana tipo EGF y dos dominios 1 tipo folistatina (TMEFF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003273	Miembro 2 de la superfamilia 7 transmembrana (TM7SF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003272	Miembro 1 de la superfamilia 7 transmembrana (regulado por exceso en el riñón) (TM7SF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003271	Miembro 7 de la superfamilia 4 transmembrana (TM4SF7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003270	Miembro 6 de la superfamilia 4 transmembrana (TM4SF6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003963	Miembro 5 de la superfamilia 4 transmembrana (TM4SF5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003269	Subfamilia 2 del receptor nuclear, grupo E, miembro 1 (NR2E1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003266	Receptor tipo toll 4 (TLR4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003265	Receptor tipo toll 3 (TLR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003264	Receptor tipo toll 2 (TLR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003263	Receptor tipo toll 1 (TLR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003258	Timidina cinasa 1, soluble (TK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003257	Proteína de unión estrecha 1 (zona ocludens 1) (TJP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003256	Inhibidor tisular de metaloproteínasa 4 (TIMP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003254	Inhibidor tisular de metaloproteínasa 1 (actividad potenciadora eritroide, inhibidor de collagenasa) (TIMP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003597	Respuesta de crecimiento temprano inducible por TGFB 2 (TIEG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003253	Invasión y metástasis por linfoma de linfocitos T 1 (TIAM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000460	Trombopoyetina (ligando del oncogén del virus de la leucemia mieloproliferativa, factor de crecimiento y desarrollo de megacariocitos) (THPO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003249	Oligopeptidasa thimet 1 (THOP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003248	Trombospondina 4 (THBS4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003247	Trombospondina 2 (THBS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003246	Trombospondina 1 (THBS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000361	Trombomodulina (THBD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000360	Tirosina hidroxilasa (TH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003241	Transglutaminasa 4 (Próstata) (TGM4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003245	Transglutaminasa 3 (polipéptido E, proteína-glutamina-gamma-glutamyltransferasa) (TGM3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000359	Transglutaminasa 1 (polipéptido K epidérmico tipo I, proteína-glutamina-gamma-glutamyltransferasa) (TGM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003243	Factor de crecimiento transformante, receptor beta III (betaglicano, 300 kD) (TGFB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003242	Factor de crecimiento transformante, receptor beta II (70-80 kD) (TGFB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000358	Factor de crecimiento transformante, inducido por beta, 68 kD (TGFB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003239	Factor de crecimiento transformante, beta 3 (TGFB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003238	Factor de crecimiento transformante, beta 2 (TGFB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003236	Factor de crecimiento transformante, alfa (TGFA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003234	Receptor de transferrina (P90, CD71) (TFRC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003227	Receptor de transferrina 2 (TFR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003226	Factor trilobulado 3 (intestinal) (TFF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003225	Factor trilobulado 1 (cáncer de mama, secuencia inducible por estrógeno expresada en) (TFF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003224	Proteína relacionada con el factor de ribosilación del ADP 1 (ARFRP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003219	Transcriptasa inversa de telomerasa (TERT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003673	Tapón de titina (teletonina) (TCAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003217	Transcrito de gen potenciado en testículo (TEGT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003216	Factor embrionario tirotrófico (TEF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003213	Miembro de la familia del dominio TEA 4 (TEAD4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003211	Timina-ADN glucosilasa (TDG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003608	Receptor acoplado a proteína G 65 (GPR65) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000355	Transcobalamina II; anemia macrocítica (TCN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001062	Transcobalamina I (proteína de unión a vitamina B12, familia del aglutinante R) (TCN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003202	Factor de transcripción 7 (específico de linfocitos T, HMG-caja) (TCF7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003201	Factor de transcripción 6 tipo 1 (factor de transcripción mitocondrial tipo 1) (TCF6L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003199	Factor de transcripción 4 (TCF4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003206	Factor de transcripción 21 (TCF21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000545	Factor de transcripción 1, hepático; LF-B1, factor hepático nuclear (HNF1), factor de albúmina proximal (TCF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003198	Factor de elongación de la transcripción B (SIII), polipéptido 3 (110 kD, elongina A) (TCEB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001060	Receptor de tromboxano A2 (TBXA2R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003194	Proteína de unión a caja TATA (TBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003192	Chaperona específica de tubulina c (TBCC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000116	Tafazzina (cardiomiopatía, 3 A dilatada (ligada a X); fibroelastosis endocárdica 2; síndrome de Barth) (TAZ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000353	Tirosina aminotransferasa (TAT) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_003191	Treonil-ARNt sintetasa (TARS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003190	Proteína de unión a TAP (tapasina) (TAPBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003189	Leucemia linfocítica aguda activada por linfocitos T 1 (TAL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003188	Proteína cinasa cinasa cinasa activada por mitógeno 7 (MAP3K7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003487	Factor asociado a proteína de unión a caja TATA (TBP), ARN polimerasa II, N, 68 kD (proteína de unión a ARN 56) (TAF2N) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003187	Factor asociado a proteína de unión a caja TATA (TBP), ARN polimerasa II, G, 32 kD (TAF2G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001057	Receptor de taquiquinina 2 (TACR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003180	Sinaptotagmina 5 (SYT5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003895	Sinaptojanina 1 (SYNJ1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003490	Sinapsina III (SYN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003178	Sinapsina II (SYN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003177	Tirosina cinasa de bazo (SYK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003176	Proteína del complejo sinaptonémico 1 (SYCP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003172	Surfeit 1 (SURF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003167	Familia de sulfotransferasa, citosólica, 2A, que prefiere deshidroepiandrosterona (DHEA), miembro 1 (SULT2A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001056	Familia de sulfotransferasa, citosólica, 1C, miembro 1 (SULT1C1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001054	Familia de sulfotransferasa, citosólica, 1A, que prefiere fenol, miembro 2 (SULT1A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001055	Familia de sulfotransferasa, citosólica, 1A, que prefiere fenol, miembro 1 (SULT1A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003165	Proteína de unión a syntaxina 1 (STXBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003163	Syntaxina 1B (STX1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003159	Serina/treonina cinasa 9 (STK9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003158	Serina/treonina cinasa 6 (STK6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003157	Serina/treonina cinasa 2 (STK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003600	Serina/treonina cinasa 15 (STK15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003160	Serina/treonina cinasa 13 (aurora/tipo IPL1) (STK13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003156	Molécula de interacción estromal 1 (STIM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003155	Estanniocalcina 1 (STC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003877	Inhibidor-2 STAT inducido por STAT (STAT12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003154	Estaterina (STATH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003153	Señal transductora y activadora de la transcripción 6, inducida por interleucina-4 (STAT6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003152	Señal transductora y activadora de la transcripción 5 A (STAT5A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003151	Señal transductora y activadora de la transcripción 4 (STAT4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003150	Señal transductora y activadora de la transcripción 3 (factor de respuesta en fase aguda) (STAT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000349	Proteína reguladora esteroideogénica aguda (STAR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003473	Molécula adaptadora de la transducción de la señal (dominio SH3 y motivo ITAM) 1 (STAM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003149	Homología tres de src (SH3) y dominio rico en cisteína (STAC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001048	Somatostatina (SST) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003146	Proteína de reconocimiento específico de estructura 1 (SSRP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003745	Proteína de unión a JAK (SSI-1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001080	Familia 5 de aldehído deshidrogenasa, miembro A1 (succinato-semialdehído deshidrogenasa) (ALDH5A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003139	Receptor de partícula de reconocimiento de señal ('proteína de acoplamiento') (SRPR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003138	Proteína cinasa de SFRS 2 (SRPK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003135	Partícula de reconocimiento de señal de 19 kD (SRP19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003132	Espermidina sintasa (SRM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003130	Sorcina (SR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001047	Esteroides-5-alfa-reductasa, polipéptido alfa 1 (3-oxo-5 alfa-esteroide delta 4-deshidrogenasa alfa 1) (SRD5A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003743	Coactivador del receptor nuclear 1 (NCOA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003128	Espectrina, beta, no-eritrocítica 1 (SPTBN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003127	Espectrina, alfa, no-eritrocítica 1 (alfa-fodrina) (SPTAN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003126	Espectrina, alfa, eritrocítica 1 (eliptocitosis 2) (SPTA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003125	Proteína rica en prolina pequeña 1B (cornifina) (SPRR1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003124	Sepiapterina reductasa (7,8-dihidrobiopterina:NADP+ oxidorreductasa) (SPR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003123	Sialoforina (gpL115, leucosialina, CD43) (SPN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003121	Factor de transcripción Spi-B (relacionado con Spi-1/PU.1) (SPIB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003120	Oncogén spi1 de integración provírica (SPI1) del virus formador de focos en el bazo (SFFV) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003119	Paraplejia espástica 7, paraplegina (pura y recesiva autosómica complicada) (SPG7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003118	Proteína secretada ácida, rica en cisteína (osteonectina) (SPARC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003112	Factor de transcripción Sp4 (SP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003107	Caja 4 (SOX4) de SRY (región Y determinante del sexo) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003108	Caja 11 (SOX11) de SRY (región Y determinante del sexo) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003104	Sorbito deshidrogenasa (SORD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003102	Superóxido dismutasa 3, extracelular (SOD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003794	Nexina de clasificación 4 (SNX4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003100	Nexina de clasificación 2 (SNX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003094	Polipéptido de ribonucleoproteína nuclear pequeña E (SNRPE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003092	Polipéptido de ribonucleoproteína nuclear pequeña B' (SNRPB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003090	Polipéptido de ribonucleoproteína nuclear pequeña A' (SNRPA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003089	Polipéptido de 70 kD de ribonucleoproteína nuclear pequeña (antígeno RNP) (SNRP70) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003498	Estannina (SNN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003087	Sinucleína, gamma (proteína específica de cáncer de mama 1) (SNCG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003083	Complejo activador del ARN nuclear pequeño, polipéptido 2, 45 kD (SNAPC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003082	Complejo activador del ARN nuclear pequeño, polipéptido 1, 43 kD (SNAPC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003081	Proteína asociada a sinaptosoma, de 25 kD (SNAP25) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003078	Regulador de cromatina dependiente de actina, asociada a matriz, relacionada con SWI/SNF, subfamilia d, miembro 3 (SMARCD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003077	Regulador de cromatina dependiente de actina, asociada a matriz, relacionada con SWI/SNF, subfamilia d, miembro 2 (SMARCD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003076	Regulador de cromatina dependiente de actina, asociada a matriz, relacionada con SWI/SNF, subfamilia d, miembro 1 (SMARCD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003075	Regulador de cromatina dependiente de actina, asociada a matriz, relacionada con SWI/SNF, subfamilia c, miembro 2 (SMARCC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003074	Regulador de cromatina dependiente de actina, asociada a matriz, relacionada con SWI/SNF, subfamilia c, miembro 1 (SMARCC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003073	Regulador de cromatina dependiente de actina, asociada a matriz, relacionada con SWI/SNF, subfamilia b, miembro 1 (SMARCB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003601	Regulador de cromatina dependiente de actina, asociada a matriz, relacionada con SWI/SNF, subfamilia a, miembro 5 (SMARCA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003071	Regulador de cromatina dependiente de actina, asociada a matriz, relacionada con SWI/SNF, subfamilia a, miembro 3 (SMARCA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003070	Regulador de cromatina dependiente de actina, asociada a matriz, relacionada con SWI/SNF, subfamilia a, miembro 2 (SMARCA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003069	Regulador de cromatina dependiente de actina, asociada a matriz, relacionada con SWI/SNF, subfamilia a, miembro 1 (SMARCA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003982	Familia de transportadores de solutos 7 (transportador de aminoácidos catiónicos, sistema y+), miembro 7 (SLC7A7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003046	Familia de transportadores de solutos 7 (transportador de aminoácidos catiónicos, sistema y+), miembro 2 (SLC7A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003045	Familia de transportadores de solutos 7 (transportador de aminoácidos catiónicos, sistema y+), miembro 1 (SLC7A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003043	Familia de transportadores de solutos 6 (transportador de neurotransmisores, taurina), miembro 6 (SLC6A6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001045	Familia de transportadores de solutos 6 (transportador de neurotransmisores, serotonina), miembro 4 (SLC6A4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001044	Familia de transportadores de solutos 6 (transportador de neurotransmisores, dopamina), miembro 3 (SLC6A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003042	Familia de transportadores de solutos 6 (transportador de neurotransmisores, GABA), miembro 1 (SLC6A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003044	Familia de transportadores de solutos 6 (transportador de neurotransmisores, betaína/GABA), miembro 12 (SLC6A12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000453	Familia de transportadores de solutos 5 (cotransportador unidireccional de yoduro de sodio), miembro 5 (SLC5A5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003041	Familia de transportadores de solutos 5 (cotransportador de sodio/glucosa), miembro 2 (SLC5A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000343	Familia de transportadores de solutos 5 (cotransportador de sodio/glucosa), miembro 1 (SLC5A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003040	Familia transportadora de solutos 4, intercambiador aniónico, miembro 2 (banda 3 de proteína de membrana de eritrocitos tipo 1), (SLC4A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000342	Familia transportadora de solutos 4, intercambiador aniónico, miembro 1 (banda 3 de proteína de membrana de eritrocitos, grupo sanguíneo Diego) (SLC4A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000341	Familia de transportadores de solutos 3 (cistina, transportadores de aminoácidos dibásicos y neutros, activadores de cistina, transporte de aminoácidos dibásicos y neutros), miembro 1 (SLC3A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001860	Familia de transportadores de solutos 31 (transportadores de cobre), miembro 2 (SLC31A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001859	Familia de transportadores de solutos 31 (transportadores de cobre), miembro 1 (SLC31A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003039	Familia de transportadores de solutos 2 (transportador de glucosa facilitado), miembro 5 (SLC2A5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001042	Familia de transportadores de solutos 2 (transportador de glucosa facilitado), miembro 4 (SLC2A4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003705	Familia de transportadores de solutos 25 (transportador mitocondrial, Aralar), miembro 12 (SLC25A12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003060	Familia de transportadores de solutos 22 (transportador de cationes orgánicos), miembro 5 (SLC22A5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003058	Familia de transportadores de solutos 22 (transportador de cationes orgánicos), miembro 2 (SLC22A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003057	Familia de transportadores de solutos 22 (transportador de cationes orgánicos), miembro 1 (SLC22A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003562	Familia de transportadores de solutos 25 (transportador mitocondrial; transportador del oxoglutarato), miembro 11 (SLC25A11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003038	Familia de transportadores de solutos 1 (transportador de glutamato/aminoácidos neutros), miembro 4 (SLC1A4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003056	Familia de transportadores de solutos 19 (transportador de folato), miembro 1 (SLC19A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003055	Familia de transportadores de solutos 18 (acetilcolina vesicular), miembro 3 (SLC18A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003054	Familia de transportadores de solutos 18 (monoamina vesicular), miembro 2 (SLC18A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003053	Familia 18 de transportadores de solutos 18 (monoamina vesicular), miembro 1 (SLC18A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003052	Familia de transportadores de solutos 34 (fosfato de sodio), miembro 1 (SLC34A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003051	Familia de transportadores de solutos 16 (transportadores de ácido monocarboxílico), miembro 1 (SLC16A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003984	Familia de transportadores de solutos 13 (transportador de dicarboxilato dependiente de sodio), miembro 2 (SLC13A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000339	Familia de transportadores de solutos 12 (transportadores de sodio/cloruro), miembro 3 (SLC12A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001046	Familia de transportadores de solutos 12 (transportadores de sodio/potasio/cloruro), miembro 2 (SLC12A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000452	Familia de transportadores de solutos 10 (familia del cotransportador de sodio/ácido biliar), miembro 2 (SLC10A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003049	Familia de transportadores de solutos 10 (familia del cotransportador de sodio/ácido biliar), miembro 1 (SLC10A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003037	Molécula de activación de la señalización linfocítica (SLAM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003616	Proteína que interacciona con proteína de supervivencia de las neuronas motoras 1 (SIP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003035	Locus de interrupción de TAL1 (SCL) (SIL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003032	Sialiltransferasa 1 (beta-galactósido alfa-2,6-sialiltransferasa) (SIAT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001041	Sacarosa-isomaltasa (S1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003027	Dominio GRB2 de SH3 tipo 3 (SH3GL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003026	Dominio GRB2 de SH3 tipo 2 (SH3GL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003025	Dominio GRB2 de SH3 tipo 1 (SH3GL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003023	Proteína de unión a dominio SH3 2 (SH3BP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003022	Proteína tipo rica en ácido glutámico unión a dominio SH3 (SH3BGRL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000199	N-sulfoglucosamina sulfhidrolasa (sulfamidasa) (SGSH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003020	Proteína neuroendocrina secretora de gránulos 1 (proteína 7B2) (SGNE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000337	Sarcoglicano, delta (glucoproteína de 35 kD asociada a distrofina) (SGCD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000232	Sarcoglicano, beta (glucoproteína de 43 kD asociada a distrofina) (SGCB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003019	Proteína surfactante asociada a pulmonar D (SFTPD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003018	Proteína surfactante asociada a pulmonar C (SFTPC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000542	Proteína surfactante asociada a pulmonar B (SFTPB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003011	Translocación de SET (asociada a leucemia mieloide) (SET) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003010	Proteína cinasa cinasa activada por mitógeno 4 (MAP2K4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003009	Selenoproteína W, 1 (SEPW1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003008	Semenogelina II (SEMG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003007	Semenogelina I (SEMG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003966	Dominio sema, siete repeticiones de trombospondina (tipo 1 y tipo similar), dominio transmembrana (TM) y dominio citoplásmico corto, (semaforina) 5A (SEMA5A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003002	Complejo succinato deshidrogenasa, subunidad D, proteína integral de membrana (SDHD) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_002999	Sindecano 4 (anfiglicano, riudocano) (SDC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002997	Sindecano 1 (SDC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002996	Subfamilia de citocinas inducibles pequeñas D (Cys-X3-Cys), miembro 1 (fractalquina, neurotactina) (SCYD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003175	Subfamilia de citocinas inducibles pequeñas C, miembro 2 (SCYC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002993	Subfamilia de citocinas inducibles pequeñas B (Cys-X-Cys), miembro 6 (proteína quimiotáctica de granulocitos 2) (SCYB6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002994	Subfamilia de citocinas inducibles pequeñas B (Cys-X-Cys), miembro 5 (péptido 78 activador de neutrófilos derivados de epitelio) (SCYB5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002985	Citocina inducible pequeña A5 (RANTES) (SCYA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002991	Subfamilia de citocinas inducibles pequeñas A (Cys-Cys), miembro 24 (SCYA24) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002990	Subfamilia de citocinas inducibles pequeñas A (Cys-Cys), miembro 22 (SCYA22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002989	Subfamilia de citocinas inducibles pequeñas A (Cys-Cys), miembro 21 (SCYA21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002988	Subfamilia de citocinas inducibles pequeñas A (Cys-Cys), miembro 18, regulada pulmonarmente y por activación (SCYA18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002987	Subfamilia de citocinas inducibles pequeñas A (Cys-Cys), miembro 17 (SCYA17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002986	Subfamilia de citocinas inducibles pequeñas A (Cys-Cys), miembro 11 (eotaxina) (SCYA11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002979	Proteína transportadora de esteroles 2 (SCP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001039	Canal de sodio, no regulado por tensión 1, gamma (SCNN1G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002978	Canal de sodio, no regulado por tensión 1, delta (SCNN1D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001038	Canal de sodio, no regulado por tensión 1, alfa (SCNN1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002977	Canal de sodio, regulado por tensión, tipo IX, polipéptido alfa (SCN9A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002976	Canal de sodio, regulado por tensión, tipo VI, polipéptido alfa (SCN6A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000334	Canal de sodio, regulado por tensión, tipo IV, polipéptido alfa (SCN4A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001037	Canal de sodio, regulado por tensión, tipo I, polipéptido alfa (SCN1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002975	Factor de crecimiento de células madre; lectina tipo C secretada por linfocitos (SCGF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003843	Escielina (SCEL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002973	Ataxia espinocerebelar 2 (ataxia olivopontocerebelar 2, ataxina autosómica dominante 2) (SCA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000332	Ataxia espinocerebelar 1 (ataxia olivopontocerebelar 1, ataxina dominante autosómica 1) (SCA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002971	Proteína de unión a secuencia rica en AT especial 1 (se une a ADN que se asocia a matriz/andamio estructural) (SATB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002970	Espermidina/espermina N1-acetiltransferasa (SAT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003870	Proteína activadora de GTPasa que contiene el motivo IQ 1 (IQGAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002967	Factor unido a andamio B (SAFB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000331	Amiloide en suero A1 (SAA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001036	Receptor de rianodina 3 (RYS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001035	Receptor de rianodina 2 (cardíaco) (RYS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002956	Restina (proteína asociada a filamento intermedio expresada en células de Reed-Steinberg) (RSN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001033	Polipéptido M1 de la ribonucleótido reductasa (RRM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002955	Proteína de unión sensible al elemento ras 1 (RREB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003942	Polipéptido 4 de proteína S6 cinasa ribosómica de 90 kD (RPS6KA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002953	Polipéptido 1 de proteína S6 cinasa ribosómica de 90 kD (RPS6KA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002951	Riboforina II (RPN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002950	Riboforina I (RPN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000329	Proteína específica del epitelio del pigmento retinal (65 kD) (RPE65) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002947	Proteína de replicación A3 (14 kD) CRPA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002946	Proteína de replicación A2 (32 kD) (RPA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002945	Proteína de replicación A1 (70 kD) (RPA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000328	Regulador de la GTPasa en la retinitis pigmentosa (RPGR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002943	Receptor huérfano relacionado con RAR A (RORA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000327	Proteína de membrana del segmento externo de la retina 1 (ROM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003799	ARN (guanina-7-) metiltransferasa (RNMT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002939	Inhibidor de la ribonucleasa/angiogenina (RNH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003800	ARN guanililtransferasa y 5'-fosfatasa (RNGTT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002938	Proteína de dedo anular 4 (RNF4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002940	Casete de unión a ATP, sub-familia E (OABP), miembro 1 (ABCE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002936	Ribonucleasa H1 (ARNSEH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002935	Ribonucleasa, familia ARNasa A, 3 (proteína catiónica eosinófila) (ARNSE3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002934	Ribonucleasa, familia ARNasa A, 2 (neurotoxina derivada de eosinófilos, hígado) (ARNSE2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003796	Proteína mediadora de RPB5 (RMP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003821	Receptor que interacciona con serina-treonina cinasa 2 (RIPK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003687	Proteína del dominio LIM (RIL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002929	Rodopsina cinasa (RHOK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000324	Glucoproteína asociada al grupo sanguíneo Rhesus (RHAG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003835	Regulador de señalización de proteína G 9 (RGS9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003617	Regulador de señalización de proteína G 5 (RGS5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002923	Regulador de señalización de proteína G 2, 24 kD (RGS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002922	Regulador de señalización de proteína G 1 (RGS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002928	Regulador de señalización de proteína G 16 (RGS16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002926	Regulador de señalización de proteína G 12 (RGS12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003834	Regulador de señalización de proteína G 11 (RGS11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002921	Receptor acoplado a proteína G retinal (RGR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000538	Proteína asociada a factor regulador X- (RFXAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003721	Proteína que contiene anquirina asociada al factor regulador X (RFXANK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002918	Factor regulador X, 1 (influye en expresión HLA tipo II) (RFX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002916	Factor de replicación C (activador 1) 4 (37 kD) (RFC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002915	Factor de replicación C (activador 1) 3 (38 kD) (RFC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002914	Factor de replicación C (activador 1) 2 (40 kD) (RFC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003704	Gen con múltiples variantes de corte y empalme próximas al locus HD en 4p16.3 (RES4-22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002908	Homólogo del oncogén vírico v-rel de la reticuloendoteliosis aviar (REL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002909	Regeneración de los islotes derivados 1 alfa (proteína de piedra pancreática, proteína de hebra pancreática) (REG1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000322	Degeneración retinal, lenta (retinitis pigmentosa 7) (RDS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002905	Retinol deshidrogenasa 5 (11-cis y 9-cis) (RDH5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002903	Recoverina (RCV1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002902	Reticulocalbina 2, dominio de unión a calcio EF-hand (RCN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002901	Reticulocalbina 1, dominio de unión a EF-hand (RCN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002896	Proteína 4 del motivo de unión a ARN (RBM4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002895	Retinoblastoma tipo 1 (P107) (RBL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000321	Retinoblastoma 1 (que incluye osteosarcoma) (RB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000966	Receptor gamma del ácido retinoico (RARG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000964	Receptor alfa del ácido retinoico (RARA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002885	RAP1, proteína 1 activadora de la GTPasa (RAPIGA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002884	Familia RAP1A miembro del oncogén RAS (RAP1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002883	Proteína 1 activadora de la GTPasa Ran (RANGAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002881	Homólogo B del oncogén vírico v-ral de la leucemia de simios (ras relacionada; GTP Proteína de unión) (RALB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002871	Factor que interacciona con RAB (RABIF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003929	RAB7, miembro de la familia oncogénica RAS tipo 1 (RAB7L1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002869	RAB6, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002868	RAB5B, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB5B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002867	RAB3B, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB3B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002866	RAB3A, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002870	RAB13, miembro de la familia oncogénica RAS (RAB 13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000320	Dihidropteridina reductasa quinoide (QDPR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002864	Proteína de la zona del embarazo (PZP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002863	Fosforilasa, glucógeno; hígado (enfermedad de Hers, enfermedad de almacenamiento de glucógeno tipo VI) (PYGL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002862	Fosforilasa, glucógeno; cerebro (PYGB) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_002860	Pirrolina-5-carboxilato sintetasa (glutamato gamma-semialdehído sintetasa) (PYCS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000319	Receptor del peroxisoma 1 (PXR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002859	Paxilina (PXN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002857	Proteína farnesilada peroxisómica (PXF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002854	Parvalbúmina (PVALB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002852	Gen relacionado con pentaxina, inducido rápidamente por IL-1 beta (PTX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000317	6-piruvoyltetrahydropterina sintasa (PTS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002851	Proteína tirosina fosfatasa, receptor tipo, polipéptido Z 1, (PTPRZ1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002850	Proteína tirosina fosfatasa, receptor tipo, S (PTPRS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002846	Proteína tirosina fosfatasa, receptor tipo, N (PTPRN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002845	Proteína tirosina fosfatasa, receptor tipo, M (PTPRM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002844	Proteína tirosina fosfatasa, receptor tipo, K (PTPRK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002843	Proteína tirosina fosfatasa, receptor tipo, J (PTPRJ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002842	Proteína tirosina fosfatasa, receptor tipo, H (PTPRH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002840	Proteína tirosina fosfatasa, receptor tipo, F (PTPRF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002839	Proteína tirosina fosfatasa, receptor tipo, D (PTPRD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002824	Paratimosina (PTMS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002823	Protimosina, alfa (secuencia 28 del gen) (PTMA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000316	Receptor de hormona paratiroidea 1 (PTH1R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002820	Hormona análoga a hormona paratiroidea (PTH1LH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000315	Hormona paratiroidea (PTH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000960	Receptor de prostaglandina 12 (Prostaciclina) (IP) (PTGIR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000959	Receptor de prostaglandina F (FP) (PTGFR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000958	Receptor de prostaglandina E 4 (subtipo EP4) (PTGER4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000957	Receptor de prostaglandina E 3 (subtipo EP3) (PTGER3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000955	Receptor de prostaglandina E 1 (subtipo EP1), 42 kD (PTGER1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000954	Prostaglandina D2 sintasa (21 kD, cerebro) (PTGDS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000314	Homólogo de fosfatasa y tensina (mutado en múltiples cánceres avanzados 1) (PTEN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000952	Receptor del factor activador de plaquetas (PTAFR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002818	Subunidad de activador de proteasoma (prosoma, macropaina) 2 (PA28 beta) (PSME2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002811	Subunidad 26S de proteasoma (prosoma, macropaina), no ATPasa, 7 (Mov34 homólogo) (PSMD7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002806	Subunidad 26S de proteasoma (prosoma, macropaina), ATPasa, 6 (PSMC6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002805	Subunidad 26S de proteasoma (prosoma, macropaina), ATPasa, 5 (PSMC5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002804	Subunidad 26S de proteasoma (prosoma, macropaina), ATPasa, 3 (PSMC3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002803	Subunidad 26S de proteasoma (prosoma, macropaina), ATPasa, 2 (PSMC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002802	Subunidad 26S de proteasoma (prosoma, macropaina), ATPasa, 1 (PSMC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002800	Subunidad del proteasoma (prosoma, macropaina), tipo beta, 9 (proteasa 2 multifuncional grande) (PSMB9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002799	Subunidad del proteasoma (prosoma, macropaina), tipo beta, 7 (PSMB7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002797	Subunidad del proteasoma (prosoma, macropaina), tipo beta, 5 (PSMB5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002796	Subunidad del proteasoma (prosoma, macropaina), tipo beta, 4 (PSMB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002795	Subunidad del proteasoma (prosoma, macropaina), tipo beta, 3 (PSMB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002794	Subunidad del proteasoma (prosoma, macropaina), tipo beta, 2 (PSMB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002793	Subunidad del proteasoma (prosoma, macropaina), tipo beta, 1 (PSMB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002801	Subunidad del proteasoma (prosoma, macropaina), tipo beta, 10 (PSMB10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002790	Subunidad del proteasoma (prosoma, macropaina), tipo alfa, 5 (PSMA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002788	Subunidad del proteasoma (prosoma, macropaina), tipo alfa, 3 (PSMA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002786	Subunidad del proteasoma (prosoma, macropaina), tipo alfa, 1 (PSMA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002783	Beta-1-glucoproteína 7 específica del embarazo (PSG7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002781	Beta-1-glucoproteína 5 específica del embarazo (PSG5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002780	Beta-1-glucoproteína 4 específica del embarazo (PSG4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002785	Beta-1-glucoproteína 11 específica del embarazo (tenga en cuenta la redefinición del símbolo) (PSG11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002784	Beta-1-glucoproteína 9 específica del embarazo (PSG9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002779	Proteína del dominio de pleckstrina y Sec7 (PSD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002776	Calicreína 10 (KLK10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002774	Calicreína 6 (neurosina, zyme) (KLK6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002773	Proteasa, serina, 8 (prostasina) (PRSS8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002770	Proteasa, serina, 2 (tripsina 2) (PRSS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002769	Proteasa, serina, 1 (tripsina 1) (PRSS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003619	Proteasa, serina, 12 (neurotripsina, moapsina) (PRSSI2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002775	Proteasa, serina, 11 (unión a IGF) (PRSSI 1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002767	Proteína asociada a fosforibosil pirofosfato sintetasa 2 (PRPSAP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002766	Proteína asociada a fosforibosil pirofosfato sintetasa 1 (PRPSAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002765	Fosforibosil pirofosfato sintetasa 2 (PRPS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002764	Fosforibosil pirofosfato sintetasa 1 (PRPS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003891	Proteína Z, glucoproteína plasmática dependiente de la vitamina K (PROZ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002763	Caja homeótica 1 relacionada con prospero (PROX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000313	Proteína S (alfa) (PROS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000312	Proteína C (factores Va y VHa del inactivador de la coagulación) (PROC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002762	Protamina 2 (PRM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002761	Protamina 1 (PRM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000949	Receptor de la prolactina (PRLR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000948	Prolactina (PRL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002759	Proteína cinasa, inducible por interferón dependiente del ARN de doble cadena (PRKR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002756	Proteína cinasa cinasa activada por mitógeno 3 (MAP2K3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002749	Proteína cinasa activada por mitógeno 7 (MAPK7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002745	Proteína cinasa activada por mitógeno 1 (MAPK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002751	Proteína cinasa activada por mitógeno 11 (MAPK11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002753	Proteína cinasa activada por mitógeno 10 (MAPK10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002743	Sustrato 80K-H de proteína cinasa C (PRKCSH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002742	Proteína cinasa C, mu (PRKCM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002741	Proteína cinasa C tipo 1 (PRKCL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002740	Proteína cinasa C, iota (PRKC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002738	Proteína cinasa C, beta 1 (PRKCB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002737	Proteína cinasa C, alfa (PRKCA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002736	Proteína cinasa, dependiente de AMPc, reguladora, tipo 11, beta (PRKAR2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002734	Proteína cinasa dependiente de AMPc, reguladora, tipo 1, alfa (extintora específica del tejido 1) (PRKAR1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002733	Proteína cinasa activada por AMP, gamma 1 sin subunidad catalítica (PRKAG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002731	Proteína cinasa dependiente de AMPc, catalítica, beta (PRKACB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002730	Proteína cinasa dependiente de AMPc, catalítica, alfa (PRKACA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000947	Polipéptido de primasa 2A, (58 kD) (PRIM2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000946	Polipéptido de primasa 1, (49 kD) (PRIM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002728	Proteoglucano 2, médula ósea (activador de células citocidas naturales, proteína básica principal del granulocito eosinófilo) (PRG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002727	Gránulo secretor del proteoglucano 1 (PRG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002726	Prolilendopeptidasa (PREP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002725	Proteína de repetición rica en leucina con extremo rico en prolina argininarica (PRELP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002723	Subfamilia 4 de la proteína BstNI rica en prolina (PRB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002722	Polipéptido pancreático (PPY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000310	Palmitoil-proteína tioesterasa 1 (lipofuscinosis cerioide neuronal 1, infantil) (PPT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002720	Proteína fosfatasa 4 (antiguamente X), subunidad catalítica (PPP4C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002719	Proteína fosfatasa 2, subunidad reguladora B (B56), gamma isoforma (PPP2R5C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002715	Proteína fosfatasa 2 (antiguamente 2A), subunidad catalítica, isoforma alfa (PPP2CA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002713	Proteína fosfatasa 1, reguladora (inhibidor) subunidad 8 (PPP1R8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002712	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora 7 (PPP1R7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002714	Proteína fosfatasa 1, subunidad reguladora 10 (PPPIR10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002710	Proteína fosfatasa 1, subunidad catalítica, isoforma gamma (PPPICC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002709	Proteína fosfatasa 1, subunidad catalítica, isoforma beta (PPPICB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002708	Proteína fosfatasa 1, subunidad catalítica, isoforma alfa (PPPICA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000309	Protoporfirinógeno oxidasa (PPOX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002706	Proteína fosfatasa 1B (antiguamente 2C), dependiente de magnesio, isoforma beta (PPMIB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002705	Periplaquina (PPL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000943	Peptidilprolil isomerasa C (ciclofilina C) (PPIC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000308	Proteína protectora de la beta-galactosidasa (galactosialidosis) (PPGB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002703	Fosforibosil pirofosfato amidotransferasa (PPAT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003712	Ácido fosfatídico fosfatasa tipo 2C (PPAP2C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003713	Ácido fosfatídico fosfatasa tipo 2B (PPAP2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003711	Ácido fosfatídico fosfatasa tipo 2A (PPAP2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
>JM 002702	Dominio POU, clase 6, factor de transcripción 1 (POU6F1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002701	Dominio POU, clase 5, factor de transcripción 1 (POU5F1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002700	Dominio POU, clase 4, factor de transcripción 3 (POU4F3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000307	Dominio POU, clase 3, factor de transcripción 4 (POU3F4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002699	Dominio POU, clase 3, factor de transcripción 1 (POU3F1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002697	Dominio POU, clase 2, factor de transcripción 1 (POU2F1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000306	Dominio POU, clase 1, factor de transcripción 1 (Pit1, factor de la hormona del crecimiento 1) (POU1F1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000446	Paraoxonasa 1 (PON1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000939	Proopiomelanocortina (adrenocorticotropina/ beta-lipotropina/ hormona estimulante del melanocito alfa / hormona estimulante del melanocito beta / beta-endorfina) (POMC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002693	Polimerasa (dirigida a ADN), gamma (POLG) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_002692	Polimerasa (dirigida a ADN), épsilon 2 (POLE2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002691	Polimerasa (dirigida a ADN), delta 1, subunidad catalítica (125 kD) (POLD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002690	Polimerasa (dirigida a ADN), beta (PLOB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003967	Receptor del putativa neurotransmisor (PNR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002686	Feniletanolamina N-metiltransferasa (PNMT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002677	Proteína mielina periférica 2 (PMP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000304	Proteína mielina periférica 22 (PMP22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002676	Fosfomanomutasa 1 (PMM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002674	Hormona concentradora de la promelanina (PMCH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002668	Proteína 2 del proteolípido (con enriquecimiento en el epitelio del colon) (PLP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000935	Procolágeno-lisina, 2-oxoglutarato 5-dioxigenasa (lisina hidroxilasa) 2 (PLOD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002667	Fosfolambano (PLN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002666	Perilipina (PLIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002665	Análogo del plasminógeno (PLGL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000301	Plasminógeno (PLG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000445	Plectina I, proteína de unión a filamento intermedio, 500 kD (PLEC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002663	Fosfolipasa D2 (PLD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002662	Fosfolipasa DI, específica de fosfatidilcolina (PLD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002661	Fosfolipasa C, gamma 2 (específica de fosfatidilinositol) (PLCG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002660	Fosfolipasa C, gamma 1 (antiguamente subtipo 148) (PLCG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000933	Fosfolipasa C, beta 4 (PLCB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002659	Activador del plasminógeno, receptor de urocinasa (PLAUR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002658	Activador del plasminógeno, urocinasa (PLAU) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002655	Gen 1 del adenoma pleiomórfico (PLAG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000929	Fosfolipasa A2, grupo V (PLA2G5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003706	Fosfolipasa A2, grupo IVC (casiótica, independiente del calcio) (PLA2G4C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000300	Fosfolipasa A2, grupo EIA (Plaquetas, fluido sinovial) (PLA2G2A) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_003561	Fosfolipasa A2, grupo X (PLA2G10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002654	Piruvato cinasa, músculo (PKM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003691	Serina/treonina cinasa 16 (STK16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000296	Enfermedad 1 del riñón poliquístico (dominante autosómico) (P KD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003607	Ser-Thr Proteína cinasa relacionada con la Proteína cinasa de la distrofia miotónica (PK428) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003678	Gen derivado de la región NF2/meningioma de 22q12 (PK1.3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000325	Factor de transcripción 2 del homeodominio tipo emparejado (PTTX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002653	Factor de transcripción 1 del homeodominio tipo emparejado (PITX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002652	Proteína PIP inducida por prolactina, ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003558	Fosfatidilinositol-4-fosfato 5-cinasa, tipo 1, beta (PIP5K1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003557	Fosfatidilinositol-4-fosfato 5-cinasa, tipo 1, alfa (PIP5K1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003746	Dineína, citoplásmico, polipéptido ligero (PIN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002648	Oncogén pim-1 (PIM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002651	Polipéptido beta de la fosfatidilinositol 4-cinasa, catalítica, (PIK4CB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002643	Fosfatidilinositol glucano, clase F (PIGF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002642	Fosfatidilinositol glucano, clase C (PIGC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002638	Inhibidor de proteasa 3, derivado de piel- (SKALP) (PI3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000294	Fosforilasa cinasa, gamma 2 (testículos) (PHKG2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000293	Fosforilasa cinasa, beta (PHKB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000292	Fosforilasa cinasa, alfa 2 (hígado) (PHKA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002637	Fosforilasa cinasa, alfa 1 (músculo) (PHKA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000926	Receptor de la progesterona (PGR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002633	Fosfoglucomutasa 1 (PGM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000291	Fosfoglicerato cinasa 1 (PGK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002632	Factor de crecimiento placentariol, proteína relacionada con el factor de crecimiento vascular endotelial (PGP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002631	Fosfogluconato deshidrogenasa (PGD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002630	Progastricsina (pepsinógeno C) (PGC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000290	Fosfoglicerato mutasa 2 (músculo) (PGAM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002629	Fosfoglicerato mutasa 1 (cerebro) (PGAM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000289	Fosfofructocinasa, músculo (PFKM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002626	Fosfofructocinasa, hígado (PFKL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002625	6-fosfofructo-2-cinasa /fructosa-2,6-bifosfatasa 1 (PFKFB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002621	Complemento del factor properdina P, (PFC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002620	Variante 1 del factor 4 plaquetario (PF4V1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002619	Factor 4 plaquetario (PF4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000288	Factor t de biogénesis del peroxisoma (PEX7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000287	Factor 6 de biogénesis del peroxisoma (PEX6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003630	Factor 3 de biogénesis del peroxisoma (PEX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000466	Factor 1 de biogénesis del peroxisoma (PEX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002618	Factor 13 de biogénesis del peroxisoma (PEX13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000442	Molécula de adhesión plaquetas/célula endotelial (antígeno CD31) (PECAM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002614	Dominio 1 que contiene PDZ (PDZK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003477	Componente X que contiene lipolilo del complejo piruvato deshidrogenasa; proteína de unión a E3 (PDX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002613	Proteína cinasa -1 dependiente de 3-fosfoinositida (PDPK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002612	Piruvato deshidrogenasa cinasa, isoenzima 4 (PDK4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000925	Piruvato deshidrogenasa (lipoamida) beta (PDHB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000284	Piruvato deshidrogenasa (lipoamida) alfa 1 (PDHA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000924	Fosfodiesterasa 1B, dependiente de calmodulina (PDE1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002606	Fosfodiesterasa 9A (PDE9A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002602	Fosfodiesterasa 6G, específica de GMPc, bastoncillos, gamma (PDE6G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002601	Fosfodiesterasa 6D, específica de GMPc, bastoncillos, delta (PDE6D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000921	Fosfodiesterasa 3A, inhibida por GMPc- (PDE3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002598	Muerte programada celular 2 (PDCD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002594	Proteína convertasa subtilisina/quexina tipo 2 (PCSK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002592	Antígeno nuclear de la célula en proliferación (PCNA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002591	Fosfoenolpiruvato carboxicinas 1 (soluble) (PCK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002586	Factor de transcripción 1 de la leucemia de precursores de linfocitos B (PBX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002585	Factor de transcripción 1 de la leucemia de precursores de linfocitos B (PBX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002583	PRKC, apoptosis, WTI, regulador (PAWR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002582	Poli(A)-ribonucleasa específica (nucleasa de desadenilación) (PARN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003631	Poli-glucohidrolasa (ADP-ribosa) (PARG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002580	Proteína asociada a pancreatitis (PAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000919	Monooxigenasa peptidilglicina alfa-amidante (PAM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002578	P21 de la cinasa 3 activado por CDKN1A (PAK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002574	Peroxiredoxina 1 (PRDX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002573	Factor activador de plaquetas acetilhidrolasa, isoforma Ib, subunidad gamma (29 kD) (PAFAH1B3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002572	Factor activador de plaquetas acetilhidrolasa, isoforma Ib, subunidad beta (30 kD) (PAFAH1B2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002571	Proteína endometrial asociada a progestágeno (proteína 14 de la placenta, alfa-2-globulina endometrial asociada con el embarazo, proteína uterina alfa) (PAEP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002569	Enzima de escisión de aminoácidos básicos emparejados (furina, proteína del receptor asociado a membrana) (PACE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002570	Sistema 4 de escisión de aminoácidos básicos emparejados (PACE4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003900	Sequesasoma 1 (SQSTM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000918	Procolágeno-prolina, 2-oxoglutarato 4-dioxigenasa (prolina 4-hidroxilasa), beta polipéptido (proteína disulfuroisomerasa; proteína de unión p55 a la hormona tiroidea) (P4HB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000917	Procolágeno-prolina, 2-oxoglutarato 4-dioxigenasa (prolina 4-hidroxilasa), polipéptido alfa I (P4HA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002565	Receptor pirimidinérgico P2Y, acoplado a proteína -G, 4 (P2RY4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002564	Receptor purinérgico P2Y, acoplado a proteína -G, 2 (P2RY2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002566	Receptor purinérgico P2Y, acoplado a proteína -G, 11 (P2RY11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002562	Receptor purinérgico P2X, canal de iones regulado por ligando, 7 (P2RX7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002561	Receptor purinérgico P2X, canal de iones regulado por ligando, 5 (P2RX5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002560	Receptor purinérgico P2X, canal de iones regulado por ligando, 4 (P2RX4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002559	Receptor purinérgico P2X, canal de iones regulado por ligando, 3 (P2RX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002556	Proteína de unión a oxisterol (OSBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000608	Orosomucoide 2 (ORM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003696	Miembro 6 de la subfamilia A de la familia 1 del receptor olfatorio, (OR6A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002550	Miembro 1 de la subfamilia A de la familia 3 del receptor olfatorio, (OR3A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002548	Miembro 2 de la subfamilia D de la familia 1 del receptor olfatorio, (OR1D2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000914	Receptor opioide, mu 1 (OPRM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000912	Receptor opioide, kappa 1 (OPRK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000911	Receptor opioide, delta 1 (OPRD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002544	Glucoproteína mielina oligodendrocitos (OMG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002543	Receptor de la lipoproteína de baja densidad oxidada 1 (tipo lectina) (OLR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003485	Receptor acoplado a proteína G 68 (GPR68) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002540	Fibra densa exterior de colas de espermatozoide 2 (ODF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002533	VCP tipo nuclear (NVL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002531	Receptor 1 de la neurotensina (alta afinidad) (NTSR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002530	Receptor tipo 3 de la tirosina cinasa neurotrópica, (NTRK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002526	5' nucleotidasa (CD73) (NT5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003580	Factor de activación asociado a esfingomielinasa neutra (N-SMasa) (NSMAF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003633	Corteza ectodermal-neural (con dominio tipo BTB) (ENC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003872	Neuropilina 2 (NRP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003873	Neuropilina 1 (NRP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003489	Receptor nuclear que interacciona con la Proteína 1 (NRIP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002525	Nardilisina (N-arginina dibásica convertasa) (NRD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000905	Neuropéptido Y (NPY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000910	Receptor Y2 neuropéptido Y (NPY2R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000909	Receptor Y1 del neuropéptido Y (NPYIR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002522	Pentraxina neuronal I (NPTX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000908	Receptor C del péptido natriurético /guanilatociclasa C (receptor C del péptido atrionatriurético) (NPR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000906	Receptor A del péptido natriurético /guanilatociclasa A (receptor A del péptido atrionatriurético) (NPR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002521	Precursor B del péptido natriurético (NPPB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002519	Proteína nuclear, locus ataxia-telangiectasia (NPAT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002518	Proteína 2 dominio del neuronal PAS (NPAS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002517	Proteína 1 dominio del neuronal PAS (NPAS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002514	Gen del nefroblastoma regulado en exceso (NOV) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003787	Proteína nucleolar 4 (NOL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003946	Proteína nucleolar 3 (represora de la apoptosis con dominio CARD) (NOL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003551	Proteína expresada en células no metastásicas 5, (nucleósido-difosfatocinasa) (NME5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002513	Proteína expresada en células no metastásicas 3, (NME3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002512	Proteína (NM23B) expresada en células no metastásicas 2, (NME2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_002511	Receptor de la neuromedina B (NMBR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002510	Glucoproteína (transmembrana) nmb (GPNMB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003954	Proteína cinasa cinasa cinasa activada por mitógeno 14 (MAP3K14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002508	Nidógeno (enactina) (NED) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002507	Receptor del factor de crecimiento de nervios (miembro 16 de la superfamilia TNFR,) (NGFR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002506	Polipéptido beta del factor de crecimiento de nervios, (NGFB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002503	Inhibidor del factor nuclear del polipéptido ligero kappa del potenciador del gen en linfocitos b, beta (NFKBIB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002502	Factor nuclear de la cadena ligera kappa del polipéptido del potenciador del gen en linfocitos b 2 (P49/pl00) (NFKB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002501	Factor nuclear I/X (factor de transcripción de unión a CCAAT) (NFIX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002500	Diferenciación neurogénica 1 (NEUROD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002497	Cinasa 2 relacionada con NIMA (nunca en la mitosis del gen a) (NEK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002496	NADH deshidrogenasa (ubiquinona) Fe-S Proteína 8 (23 kD) (NADH-coenzima Q reductasa) (NDUFS8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002495	NADH deshidrogenasa (ubiquinona) Fe-S Proteína 4 (18 kD) (NADH-coenzima Q reductasa) (NDUFS4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002494	NADH deshidrogenasa (ubiquinona) 1, subcomplejo desconocido, 1 (6 kD, KFYI) (NDUFC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002490	Subcomplejo 1 alfa de NADH deshidrogenasa (ubiquinona), 6 (14 kD, B14) (NDUFA6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002488	Subcomplejo 1 alfa de NADH deshidrogenasa (ubiquinona), 2 (8 kD, B8) (NDUFA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003635	N-desacetilasa/N-sulfotransferasa (glucosaminil heparano) 2 (NDST2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001543	N-desacetilasa/N-sulfotransferasa (glucosaminil heparano) 1 (NDST1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003581	Proteína 2 del adaptador NCK (NCK2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002486	Subunidad 1 de la Proteína de unión nuclear cap, 80 kD (NCBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002483	Molécula de adhesión celular 6 relacionada con el antígeno carcinoembrionario- (reacción cruzada no específica con el antígeno G) (CEACAM6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000662	N-acetiltransferasa 1 (arilamina N-acetiltransferasa) (NAT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000263	N-acetilglucosaminidasa, alfa- (enfermedad de Sanfilippo IIIB) (NAGLU) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003871	Factor de transcripción 2 de la mielina (MYT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003803	Miomesina 1 (esquelemina) (185 kD) (MYOM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002479	Miogenina (factor 4 miogénico) (MYOG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002472	Miosina, polipéptido 8 pesado, músculo esquelético, perinatal (MYH8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002469	Factor 6 miogénico (herculina) CMYF6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002468	Gen de respuesta primara a la diferenciación mieloide (88) (MYD88) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002460	Factor regulador 4 del interferón (IRF4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002457	Mucina 2, intestinal/traqueal (MUC2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002456	Mucina 1, que atraviesan la membrana (MUC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002455	Metaxina 1 (MTX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002453	Factor 2 de inicio de la traducción mitocondrial (MTIF2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_002452	Motivo tipo nudix (resto unido a nucleósido difosfato X) 1 (NUDT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002450	Metalotioneína 1L (MT1L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002447	Receptor 1 estimulante de macrófagos 1 (tirosina cinasa relacionada con c-met) (MSTIR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002446	Proteína cinasa cinasa cinasa activada por mitógeno 10 (MAP3K10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002445	Receptor 1 secuestrante de macrófagos (MSR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002444	Moesina (MSN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003879	Regulador de apoptosis tipo CASP8 y FADD (CFLAR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000530	Proteína cero de mielina (neuropatía de Charcot-Marie-Tooth 1B) (MPZ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002437	Transgén MpV17 homólogo murino, glomeruloesclerosis (MPV17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001932	Proteína de membrana, palmitoilada 3 (miembro 3 de la subfamilia MAGUK p55) (MPP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002435	Manosa fosfatoisomerasa (MP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002434	N-metilpurina-ADN glucosilasa (MPG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003829	Proteína de dominio múltiple PDZ (MPDZ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003824	TNFRSF6 asociada a Fas mediante el dominio de muerte (FADD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002432	Antígeno de diferenciación nuclear en células mieloides (MNDA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002431	Menage a trois 1 (factor de ensamblaje CAK) (MNAT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002430	Meningioma (Perturbado en una translocación equilibrada) 1 (MN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000901	Miembro 2 del grupo C, de la subfamilia 3 del receptor nuclear (NR3C2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003482	Leucemia 2 mieloide/linfoide o de línea mixta (MLL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002419	Proteína cinasa cinasa cinasa activada por mitógeno 11 (MAP3K11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002417	Antígeno identificado por el anticuerpo monoclonal Ki-67 (MKI67) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002416	Monocina inducida por gamma interferón (MIG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002415	Factor inhibidor de la migración de macrófagos (factor inhibidor de la glucosilación) (MIF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002413	Glutación S-transferasa 2 microsómica (MGST2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000900	Gla Proteína de la matriz (MGP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm.
NM_002412	O-6-metilguanina-ADN metiltransferasa (MGMT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002407	Mamoglobina 2 (MGB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002411	Mamoglobina 1 (MGB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002397	Polipéptido C del factor 2 potenciador de la transcripción de la secuencia MADS, (factor 2C potenciador de miocitos) (MEF2C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002391	Midquina (factor promotor del crecimiento de neuritas 2) (MDK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002387	Mutado en cánceres tipo colorrectal (MCC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000529	Receptor de la melanocortina 2 (hormona adrenocorticotrópica) (MC2R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002386	Receptor de la melanocortina 1 (receptor de la hormona estimulante del alfa melanocito) (MC1R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002385	Proteína mielina básica (MBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002382	Proteína MAX (MAX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002378	Tirosina cinasa asociada megacariocito (MATK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002376	MAP/ cinasa reguladora de afinidad microtúbulos 3 (MARK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000898	Monoamina oxidasa B (MAOB) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_003480	Glucoproteína asociada a microfibrillas- (MAGP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002367	Antígeno del melanoma, familia B, 4 (MAGEB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002365	Antígeno del melanoma, familia B, 3 (MAGEB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002364	Antígeno del melanoma, familia B, 2 (MAGEB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002363	Antígeno del melanoma, familia B, 1 (MAGEB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002362	Antígeno del melanoma, familia A, 4 (MAGEA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003682	MAP-cinasa activante del dominio de muerte (MADD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002357	Proteína de dimerización MAX (MAD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002350	Oncogén homólogo v-yes-1 relacionado con el sarcoma vírico de Yamaguchi (LYN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002349	Antígeno 75 de linfocito (LY75) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002347	Complejo antígeno 6 de linfocito, locus H (LY6H) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002346	Complejo antígeno 6 de linfocito, locus E (LY6E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002345	Lumicana (LUM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002344	Tirosina cinasa de leucocitos (LTK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002343	Lactotransferrina (LTF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000897	Leucotrieno C4 sintasa (LTC4S) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003573	Proteína de unión 4 al factor de crecimiento transformante beta latente (LTBP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000752	Receptor del leucotrieno b4 (tipo receptor de quimiocina 1) (LTB4R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000895	Leucotrieno A4 hidrolasa (LTA4H) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002340	Lanosterol sintasa (2,3-oxidoescualeno-lanosterol ciclase) (LSS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002338	Proteína de membrana asociada a l sistema límbico- (LSAMP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002337	Proteína 1 asociada a proteína relacionada con la lipoproteína de baja densidad (proteína asociada a receptor alfa-2-macroglobulina) (LRPAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002336	Proteína 6 relacionada con el receptor de la lipoproteína de baja densidad (LRP6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002319	Proteína neuronal rica en leucina (LRN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002317	Lisiloxidasa (LOX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002316	Factor de transcripción 1de la homosecuencia LIM, beta (LMXIB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002315	LIM dominio only 1 (rombotina 1) (LMO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002312	Ligasa IV de ADN dependiente de ATP (LIG4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002306	Lectina, unión a galactósido, soluble, 3 (galectina 3) (LGALS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002303	Receptor de la leptina (LEPR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002302	Quimiotaxina 2 derivada de leucocitos (LECT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001290	Dominio de unión 2 LIM (LDB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003893	Dominio de unión 1 a LIM (LDB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002299	Lactasa (LCT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002297	Lipocalina 1 (proteína que migra más rápido que la albúmina, rompe la prealbúmina) (LCN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002296	Receptor de la lamina B (LBR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002291	Laminina, beta 1 (LAMB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002289	Alfa-lactoalbúmina, (LALBA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002273	Queratina 8 (KRT8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002276	Queratina 19 (KRT19) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002275	Queratina 15 (KRT15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002274	Queratina 13 (KRT13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002265	Carioferina (importina) beta 1 (KPNB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002267	Carioferina alfa 3 (importina alfa 4) (KPNA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002266	Carioferina alfa 2 (cohorte RAG 1, importina alfa 1) (KPNA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000893	Quininógeno (KNG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003679	Quirurenina 3-monooxigenasa (quirurenina 3-hidroxilasa) (KMO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002258	Miembro 1 de la subfamilia B del receptor análogo a lecitina de célula citocida a (KLRB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002257	Calicreína 1, renal/páncreas/salivar (KLK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002256	KiSS-1 supresor de la metástasis- (KISS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002255	Receptor análogo a inmunoglobulina de célula citocida, dos dominios, cola citoplasmática larga, 4 (KIR2DL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002254	Miembro de la familia de la quinesina 3C (KIF3C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003958	Proteína de dedo de cinc (tipo C3HC4) 8 (RNF8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003685	Proteína G reguladora del corte y empalme tipo KH (proteína de unión a FUSE 2) (KHSRP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002252	Miembro 3 de la subfamilia S del canal de potasio regulado por tensión, delayed-rectifier, (KCNS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002250	Miembro 4 de la subfamilia N del canal de potasio de conductancia intermedia/baja activado por calcio (KCNN4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002249	Miembro 3 de la subfamilia N del canal de potasio de conductancia intermedia/baja activado por calcio (KCNN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002247	Miembro alfa 1 de la subfamilia M del canal de potasio de gran conductancia activado por calcio (KCNA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002244	Inhibidor 1 de la subfamilia J del canal rectificador de la entrada de potasio, (KCNJN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002240	Miembro 6 de la subfamilia J del canal rectificador de la entrada de potasio, (KCNJ6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002239	Miembro 3 de la subfamilia J del canal rectificador de la entrada de potasio, (KCNJ3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000891	Miembro 2 de la subfamilia J del canal rectificador de la entrada de potasio, (KCNJ2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002241	Miembro 10 de la subfamilia J del canal rectificador de la entrada de potasio, subfamilia J, miembro 10 (KCNJ10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002238	Miembro 1 de la subfamilia H (relacionada con eag) del canal de potasio regulado por tensión, relacionada con shaker, (KCNH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002237	Miembro 1 de la subfamilia G del canal de potasio regulado por tensión, relacionada con shaker (KCNH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002236	Miembro 1 de la subfamilia F del canal de potasio regulado por tensión, relacionada con shaker (KCNF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003636	Canal de potasio regulado por tensión, subfamilia relacionada con shaker, beta miembro 2 (KCNAB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003471	Miembro 7 de la subfamilia del canal de potasio regulado por tensión, relacionada con shaker (KCNAB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002235	Miembro 6 de la subfamilia del canal de potasio regulado por tensión, relacionada con shaker (KCNAB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002234	Miembro 5 de la subfamilia del canal de potasio regulado por tensión, relacionada con shaker (KCNAB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002233	Miembro 4 de la subfamilia del canal de potasio regulado por tensión, relacionada con shaker (KCNAB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002232	Miembro 3 de la subfamilia del canal de potasio regulado por tensión, relacionada con shaker, (KCNAB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002229	Proto-oncogén jun B (JUNB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003666	Factor 1 básico nuclear con cremallera de leucina (JEM-1) (BLZF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002227	Cinasa Janus 1 (una proteína tirosina cinasa) (JAK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003024	Intersectina 1 (proteína del dominio SH3) (ITSN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002224	Receptor tipo 3 inositol 1,4,5-trifosfato (ITPR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002223	Receptor tipo 2 del inositol 1,4,5-trifosfato (ITPR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002221	Inositol 1,4,5-trisfosfato 3-cinasa B (ITPKB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002220	Inositol 1,4,5-trisfosfato 3-cinasa A (ITPKA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002219	Proteína integral de membrana 1 (TTM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002218	Inhibidor del interferón alfa (globulina) H4 (glucoproteína sensible calicreína en plasma) (ITf14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002216	Inhibidor del interferón alfa (globulina), polipéptido H2 (rnH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002215	Inhibidor del interferón alfa (globulina), polipéptido H1 (ITI1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000889	Integrina, beta 7 (ITGB7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002212	Proteína de unión a integrina beta 4 (ITGB4BP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000213	Integrina, beta 4 (ITGB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002211	Integrina, beta 1 (receptor de la fibronectina, polipéptido beta, el antígeno CD29 incluye MDF2, MSK12) (ITGB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002210	Integrina, alfa V (receptor de la vitronectina, polipéptido alfa, antígeno CD51) (ITGAV) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002209	Integrina, alfa L (antígeno CD11A (PI80), antígeno 1 asociado a la función del linfocito; polipéptido alfa) (TTGAL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002206	Integrina, alfa 7 (ITGA7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002205	Integrina, alfa 5 (polipéptido alfa del receptor de la fibronectina,) (IRGA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003749	Sustrato 2 del receptor de insulina (IRS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001571	Factor regulador 3 del interferón (IRF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002198	Factor regulador 1 del interferón (IRF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002196	Insulinoma-asociada a 1 (INSM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002195	Análogo de la insulina 4 (placenta) (INSL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001565	Miembro 10 de la subfamilia B de la citocina inducible pequeña (Cys-X-Cys), (SCYBIO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002192	Inhibina beta A (activina A, polipéptido alfa de la activina AB) (INHBA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001564	Miembro 1análogo de la familia del inhibidor del crecimiento (INGIL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003669	Inactivation escape 1 (INE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000884	IMP (inosina monofosfato) deshidrogenasa 2 (IMPDH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000883	IMP (inosina monofosfato) deshidrogenasa 1 (IMPDH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001557	Receptor de la interleucina 8, beta (IL8RB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000634	Receptor de la interleucina 8, alfa (ELSRA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002185	Receptor de la interleucina 7 (IL7R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000880	Interleucina 7 (IL7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002184	Transductor de la señal de la interleucina 6 (gpl30, receptor M de oncostatina) (IL6ST) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000565	Receptor de la interleucina 6 (IL6R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
	Interleucina 5 (factor estimulante de colonias, eosinófilos) (IL5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
^fM 000589	Interleucina 4 (IL4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000588	Interleucina 3 (factor estimulante de colonias, múltiple) (IL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000878	Receptor de la interleucina 2, beta (IL2RB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003854	Receptor tipo 2 de la interleucina 1 (IL1RL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002182	Proteína auxiliar del receptor de la interleucina 1 (ILIRAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000877	Receptor tipo 1 de la interleucina 1, (ILIR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003853	Proteína auxiliar del receptor de la interleucina 18 (IL18RAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003855	Receptor 1 de la interleucina 18 (IL18R1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001562	Interleucina 18 (factor inductor del interferón gamma) (IL18) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002190	Interleucina 17 (serina esterasa asociada a linfocitos citotóxicos 8) (IL17) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002189	Receptor de la interleucina 15, alfa (IL15RA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002188	Interleucina 13 (IL13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001559	Receptor de la interleucina 12, beta 2 (IL12RB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002187	Interleucina 12B (factor 2 estimulante de células citocidas naturales, factor 2 de maduración de linfocitos citotóxicos, p40) (IL12B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000882	Interleucina 12A (factor 1 estimulante de células citocidas naturales, factor 1 de maduración de linfocitos citotóxicos, p35) (E.12A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000628	Receptor de la interleucina 10, beta (IL10RB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001558	Receptor de la interleucina 10, alfa (IL10RA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003639	Polipéptido inhibidor de la cadena kappa ligera del gen potenciador en linfocitos b, cinasa gamma (IKBKG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003640	Polipéptido inhibidor de la cadena kappa ligera del gen potenciador en linfocitos b, proteína asociada a l complejo de la cinasa (IKBKAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001542	Miembro 3 de la superfamilia de la inmunoglobulina (IGSF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001555	Miembro 1 de la superfamilia de la inmunoglobulina, (IGSF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002180	Proteína de unión 2 a la inmunoglobulina mu GGHMBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001553	Proteína de unión 7 del factor de crecimiento tipo insulina (IGFBP7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000598	Proteína de unión 3 del factor de crecimiento tipo insulina (IGFBP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000596	Proteína de unión 1 del factor de crecimiento tipo insulina (IGFBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001554	Inductor angiogénico rico en cisteína, 61 (CYR61) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000876	Receptor del factor de crecimiento tipo insulina 2 (IGF2R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001550	Regulador del desarrollo relacionado con el interferón 1 (IFRD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002177	Interferón, omega 1 (EFNW1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002176	Interferón, beta 1, fibroblasto (IFNB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000874	Receptor 2 interferón (alfa, beta y omega) (IFNAR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002170	Interferón, alfa 8 (IFNA8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002169	Interferón, alfa 5 (1FNA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002175	Interferón, alfa 21 (IFNA21) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002173	Interferón, alfa 16 (IFNA16) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002172	Interferón, alfa 14 (IFNA14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002171	Interferón, alfa 10 (IFNA10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001549	Interferón-inducido por Proteína con con repeticiones tetratricopeptídicas 4 (IFIT4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001548	Proteína transmembrana inducida por interferón con repeticiones tetratricopeptídicas 1 (IFIT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003641	Proteína transmembrana inducida por interferón 1 (9-27) (IFITM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000204	Factor I (complemento) (IF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002168	Isocitrato deshidrogenasa 2 (NADP+), mitocondrial (IDH2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_001546	Inhibi inhibidor de la unión a ADN 4, proteína dominante negativa hélice-bucle-hélice (ID4), mRN A
NM_002166	Inhibidor de la unión a ADN 2, proteína dominante negativa hélice-bucle-hélice (ID2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NfM_002165	Inhibidor de la unión a ADN 1, proteína dominante negativa hélice-bucle-hélice (ID1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002160	Hexabraquion (tenascina C, citotactina) (HXB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000871	Receptor 6 de la 5-hidroxitriptamina (serotonina) (HTR6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000869	Receptor 3A de la 5-hidroxitriptamina (serotonina) (HTR3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000868	Receptor 2C de la 5-hidroxitriptamina (serotonina) (HTR2C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000867	Receptor 2B de la 5-hidroxitriptamina (serotonina) (HTR2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000865	Receptor 1E de la 5-hidroxitriptamina (serotonina) (HTR1E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000864	Receptor 1D de la 5-hidroxitriptamina (serotonina) (HTR1D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000863	Receptor 1B de la 5-hidroxitriptamina (serotonina) (HTR1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000524	Receptor 1A de la 5-hidroxitriptamina (serotonina) (HTR1A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002159	Histatina 1 (HTN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002158	Human factor potenciador del virus de la leucemia de linfocitos T (HTLF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001541	Proteína 2 del choque térmico 27 kD (HSPB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002155	Proteína 6 del choque térmico 70 kD (HSP70B') (HSPA6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001539	Proteína del choque térmico, ADNJ tipo 2 (HSJ2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000198	Hidroxi-delta-5-esteroide deshidrogenasa, 3 beta- y esteroide delta-isomerasa 2 (HSD3B2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000862	Hidroxi-delta-5-esteroide de hidrogenasa, 3 beta- y esteroide delta-isomerasa 1 (HSD3B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000414	Hidroxiesteroide (17-beta) deshidrogenasa 4 (HSD17B4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002153	Hidroxiesteroide (17-beta) deshidrogenasa 2 (HSD17B2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000413	Hidroxiesteroide (17-beta) deshidrogenasa 1 (HSD17B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000196	Hidroxiesteroide (11-beta) deshidrogenasa 2 (HSD11B2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002151	Hepsina (proteasa transmembrana, serina 1) (HPN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000860	Hidroxiprostaglandina deshidrogenasa 15-(NAD) (HPGD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002150	4-hidroxifenilpiruvato dioxigenasa (HPD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002143	Hipocalcina (HPCA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002148	Homosecuencia DIO (HOXDIO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002147	Homosecuencia B5 (HOXB5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002146	Homosecuencia B3 (HOXB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002145	Homosecuencia B2 (HOXB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002144	Homosecuencia B1 (HOXB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002142	Homosecuencia A9 (HOXA9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002141	Homosecuencia A4 (HOXA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000522	Homosecuencia A13 (HOXA13) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002139	Proteína del motivo de unión a ARN, cromosoma X (RBMX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000457	Factor nuclear 4 de hepatocitos, alfa (HNF4A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002135	Miembro 1 del grupo A de la subfamilia 4 del receptor nuclear, (NR4A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002133	Heme oxigenasa (deciclinag) 1 (HMOX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002131	Isoformas I e Y del grupo de elevada motilidad (no histona cromosómica) (HMG1Y) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002130	3-hidroxi-3-metilglutaril-Coenzima A sintasa 1 (soluble) (HMGCS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002128	Proteína 1 del grupo de elevada motilidad (no histona cromosómica) (HMG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000190	Hidroximetilbilano sintasa (HMBS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002126	Factor de la leucemia hepática (HLF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001531	Secuencia homóloga del complejo mayor de histocompatibilidad, clase I (HLALS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002127	Antígeno de histocompatibilidad HLA-G, clase I, G (HLA-G) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002123	Complejo mayor de histocompatibilidad, clase II, DQ beta 1 (HLA-DQB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001530	Factor 1 inducible mediante hipoxia, subunidad alfa (factor de transcripción básico hélice-bucle-hélice) (HIF1 A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001528	Activador de HGF (HGFAC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000187	Homogentisato 1,2-dioxigenasa (homogentisato oxidasa) (HGD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000410	Hemocromatosis (HFE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000186	Factor 1 H (complemento) (HF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003865	Homosecuencia (expresada en células ES) 1 (HESX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002112	Histidina descarboxilasa (HDC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002110	Cinasa de células hemopoyéticas (HCK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003642	Histona acetiltransferasa 1 (HAT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001523	Hialuronano sintasa 1 (HAS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000183	Hidroxiacil-Coenzima A deshidrogenasa/3- cetoacil -Coenzima A tiolasa/enoil-Coenzima A hidratasa (proteína trifuncional), subunidad beta (HADHB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000182	Hidroxiacil-Coenzima A deshidrogenasa/3-cetoacil- Coenzima A tiolasa/enoil-Coenzima A hidratasa (proteína trifuncional), subunidad alfa (HADHA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003548	Familia de histonas H4, miembro 2 (H4F2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003547	Familia de histonas H4, miembro L (H4FL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003544	Familia de histonas H4, miembro I (H4F1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003493	Familia de histonas H3, miembro T (H3FT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003537	Familia de histonas H3, miembro L (H3FL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003534	Familia de histonas H3, miembro H (H3FH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003532	Familia de histonas H3, miembro D (H3FD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003531	Familia de histonas H3, miembro C (H3FC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003530	Familia de histonas H3, miembro B (H3FB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003529	Familia de histonas H3, miembro A (H3FA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002107	Familia de histonas H3 miembro 3A (H3F3A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003528	Familia de histonas H2B, miembro Q (H2BFQ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003526	Familia de histonas H2B, miembro L (H2BFL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003525	Familia de histonas H2B, miembro K (H2BFK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003524	Familia de histonas H2B, miembro J (H2BFJ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003523	Familia de histonas H2B, miembro H (H2BFH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003522	Familia de histonas H2B, miembro G (H2BFG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003518	Familia de histonas H2B, miembro A (H2BFA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002106	Familia de histonas H2A, miembro Z (H2AFZ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003516	Familia de histonas H2A, miembro O (H2AF0) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003513	Familia de histonas H2A, miembro M (H2AFM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003512	Familia de histonas H2A, miembro L (H2AFL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003612	Dominio sema, dominio de inmunoglobulina (Ig), y anclado a la membrana GPI, (semaforina) 7A (SEMA7A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002104	Granzima K (serina proteasa, granzima 3; triptasa H) (GZMK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002103	Glígogeno sintasa 1 (músculo) (GYS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002102	Glucoforina E (GYPE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000181	Glucuronidasa, beta (GUSB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000858	Guanilato cinasa 1 (GUK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001522	Guanilato ciclasa 2F, retinal (GUCY2F) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000180	Guanilato ciclasa 2D, membrana (retina-específica) (GUCY2D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000857	Guanilato ciclasa 1, soluble, beta 3 (GUCY1B3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000856	Guanilato ciclasa 1, soluble, alfa 3 (GUCY1A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000855	Guanilato ciclasa 1, soluble, alfa 2 (GUCY1A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000409	Activador 1 de la guanilato ciclasa A (retina) (GUCA1 A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001517	Factor general de transcripción EH, polipéptido 4 (52 kD subunidad) (GTF2H4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002096	Factor general de transcripción HP, polipéptido 1 (74 kD subunidad) (GTF2F1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002095	Factor general de transcripción DE, polipéptido 2 (beta subunidad, 34 kD) (GTF2E2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001513	Glutación transferasa zeta 1 (maleil acetoacetato isomerasa) (GSTZ1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000853	Glutación S-transferasa theta 1 (GSTT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000851	Glutación S-transferasa M5 (GSTM5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000850	Glutación S-transferasa M4 (GSTM4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000849	Glutación S-transferasa M3 (cerebro) (GSTM3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000848	Glutación S-transferasa M2 (músculo) (GSTM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001512	Glutación S-transferasa A4 (GSTA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000846	Glutación S-transferasa A2 (GSTA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000178	Glutación sintetasa (GSS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002094	Transición de la fase G1 a la S 1 (GSPT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000177	Gelsolina (amiloidosis, tipo finlandés) (GSN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002093	Glucógeno sintasacinas 3 beta (GSK3B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002092	Factor 1 de unión a la secuencia rica enARN (GRSF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002091	Péptido liberador de gastrina (GRP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002090	Oncogén GR03 (GR03) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002089	Oncogén GR02 (GR02) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001511	Oncogén GRO1 (actividad estimulante del crecimiento del melanoma, alfa) (GRO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002087	Granulina (GRN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000845	Receptor del glutamato, metabotrópico 8 (GRM8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000844	Receptor del glutamato, metabotrópico 7 (GRM7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000841	Receptor del glutamato, metabotrópico 4 (GRM4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000840	Receptor del glutamato, metabotrópico 3 (GRM3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000176	Miembro 1 grupo C, de la subfamilia 3, del receptor nuclear (NR3C1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000831	Receptor del glutamato, ionotrópico, cainato 3 (GRIK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000830	Receptor del glutamato, ionotrópico, cainato 1 (GRIK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002086	Proteína 2 unida al factor de crecimiento (GRB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002085	Glutación peroxidasa 4 (fosfolípido hidropoxidasa) (GPX4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002083	Glutación peroxidasa 2 (gastrointestinal) (GPX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002082	Receptor acoplado a proteína G cinasa 6 (GPRK6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001504	Receptor acoplado a proteína G 9 (GPR9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001508	Receptor acoplado a proteína G 39 (GPR39) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001507	Receptor acoplado a proteína G 38 (GPR38) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001506	Receptor acoplado a proteína G 32 (GPR32) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001505	Receptor acoplado a proteína G 30 (GPR30) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001503	Fosfolipasa específica de glicosilfosfatidilinositol D1 (GPLD1),
	ARNm
NM_000408	Glicerol-3-fosfatodeshidrogenasa 2 (mitocondrial) (GPD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001448	Glipicano 4 (GPC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002081	Glipicano 1 (GPC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000174	Glucoproteína DC (Plaquetas) (GP9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000173	Polipéptido alfa de la glucoproteína Ib (Plaquetas), (GPIBA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002080	Glutámico-oxaloacético transaminasa 2, mitocondrial (aspartato aminotransferasa 2) (GOT2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_002079	Glutámico-oxaloacético transaminasa 1, soluble (aspartato aminotransferasa 1) (GOT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002076	Glucosamina (N-acetil)-6-sulfatasa (enfermedad de Sanfilippo IIID) (GNS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001501	Hormona liberadora de gonadotropina 2 (GNRH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000825	Hormona liberadora de gonadotropina 1 (hormona liberadora de la hormona luteinizante) (GNRH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002075	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), polipéptido 3 beta (GNB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002073	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), polipéptido alfa z (GNAZ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000172	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), polipéptido 2 que transduce la actividad alfa (GNAT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002072	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), polipéptido q (GNAQ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002071	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), polipéptido 2 que activa la actividad alfa, tipo olfatorio (GNAL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002070	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), polipéptido 2 que inhibe la actividad alfa (GNAI2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002068	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), alfa 15 (Gq clase) (GNA15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002067	Proteína de unión a nucleótidos de guanina (proteína G), alfa 11 (clase Gq) (GNA11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003875	Guanina monofosfato sintetasa (GMPS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002066	Molécula tipo Proteína anclada a GPI (GML) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001500	GDP-manosa 4,6-dehidratasa (GMDS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002065	Glutamato-amoniaco ligasa (glutamina sintasa) (GLUL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002064	Glutaredoxina (tioltransferasa) (GLRX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000824	Receptor beta 2 de la glicina (GLRB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002063	Receptor alfa 2 de la glicina (GLRA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002062	Péptido 1 del receptor análogo al glucagón (GLPIR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000170	Glicinadeshidrogenasa (descarboxilante; glicinadescarboxilasa, proteína P del sistema de escisión de la glicina) (GLDC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000169	Galactosidasa, alfa (GLA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000167	Glicerol cinasa (GK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000166	Proteína de unión de huecos, beta 1, 32 kD (conexina 32, neuropatía de Charcot-Marie-Aoth, vinculada al cromosoma X) (GJB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002060	Proteína de unión de huecos, alfa 4, 37 kD (conexina 37) (GJA4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000164	Receptor del polipéptido inhibidor gástrico (GIPR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000823	Receptor de la hormona que libera la hormona del crecimiento (GHRHR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000163	Receptor de la hormona del crecimiento (GHR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000821	Gamma-glutamyl carboxilasa (GGCX), ARNm
NM_001495	Familia del receptor alfa 2 de GDNF (GFRA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002055	Proteína glial fibrilar ácida (GFAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003943	Gentonina 1 (GENX-3414) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000514	Factor neurotrófico derivado de células gliales (GDNF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001493	Inhibidor de la disociación de GDP 1 (GDI1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
hfM_001491	Enzima ramificadora de la glucosaminil (N-acetil) transferasa 2,1-branching (GCNT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001490	Glucosaminil (N-acetil) transferasa 1, núcleo 2 (beta-1,6-N-acetil glucosaminil transferasa) (GCNT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
^fM 000160	Receptor del glucagón (GCGR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002054	Glucagón (GCG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001485	Homosecuencia 2 de gastrulación en el cerebro (GBX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001483	Secuencia amplificada del glioblastoma (GBAS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002048	Proteína 1 específica de la detención del crecimiento (GAS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001481	Proteína 11 específica de la detención del crecimiento (GAS11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000819	Fosforibosilglicinamida formiltransferasa, fosforibosilglicinamida sintetasa, fosforibosilaminoimidazol sintetasa (GART) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_002045	Proteína 43 asociada a l crecimiento (GAP43) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003614	Receptor 3 de la galanina (GALR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000154	Galacacinasasa 1 (GALK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001477	Antígeno G 7B (GAGE7B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001476	Antígeno G 6 (GAGE6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001475	Antígeno G 5 (GAGE5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001474	Antígeno G 4 (GAGE4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001473	Antígeno G 3 (GAGE3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001472	Antígeno G 2 (GAGE2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001468	Antígeno G 1 (GAGE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000818	Glutamato descarboxilasa 2 (islotos pancreáticos y cerebro, 65 kD) (GAD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002043	Receptor del ácido gamma-aminobutírico (GABA) receptor, rho 2 (GABRR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002042	Receptor del ácido gamma-aminobutírico (GABA), rho 1 (GABRR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000402	Glucosa-6-fosfatodeshidrogenasa (G6PD) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_001469	Autoantígeno tiroideo 701cD (Ku antígeno) (G22P1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002037	Oncogén FYN relacionado con SRC, FGR, YES (FYN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002036	Grupo sanguíneo de Duffy (FY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002035	Variante de translocación del linfoma folicular 1 (FVT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000150	Fucosiltransferasa 6 (alfa (1,3) fucosiltransferasa) (FUT6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002034	Fucosiltransferasa 5 (alfa (1,3) fucosiltransferasa) (FUT5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002033	Fucosiltransferasa 4 (alfa (1,3) fucosiltransferasa, específica de mieloides) (FUT4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000149	Fucosiltransferasa 3 (galactósido 3(4)-L-fucosiltransferasa, grupo sanguíneo de Lewis incluido) (FUT3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000511	Fucosiltransferasa 2 (estado secretor incluido) (FUT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000148	Fucosiltransferasa 1 (galactósido 2-alfa-L-fucosiltransferasa, fenotipo Bombay incluido) (FUT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000147	Fucosidasa, alfa-L- 1, tejido (FUCA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002032	Polipéptido pesado 1 de la ferritina (FTH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000145	Receptor de la hormona estimulante del folículo (FSHR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000510	Polipéptido beta de la hormona estimulante del folículo (FSHB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001463	Proteína relacionada con la sibilación (FRZB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000144	Ataxia de Friedreich (FRDA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001462	Péptido análogo al receptor de formilo 1 (FPRL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002029	Péptido del receptor del formilo 1 (FPR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003838	Fucosa-1-fosfato guanidiltransferasa (FPGT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002027	Farnesiltransferasa, secuencia CAAX, alfa (FNTA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002025	Discapacidad intelectual por cromosoma X frágil 2 (FMR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002024	Discapacidad intelectual por cromosoma X frágil 1 (FMR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001461	Monooxigenasa que contiene flavina 5 (FM05) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002022	Monooxigenasa que contiene flavina 4 (FM04) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001460	Monooxigenasa que contiene flavina 2 (FM02) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002021	Monooxigenasa que contiene flavina 1 (FMO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002020	Tirosina cinasa 4 relacionada con fms (FLT4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001459	Ligando de la tirosina cinasa 3 relacionada con fms (FLT3LG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002019	Tirosina cinasa 1 relacionada con fms- (factor de crecimiento vascular endotelial / receptor del factor de permeabilidad vascular) (FLT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001455	Caja forkhead 03A (FOX03A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001453	Caja forkhead C1 (FOXC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001451	Caja forkhead F1 (FOXF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001450	Dominios 2 four y half de LIM (FHL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001449	Dominios 1 four y half de LIM (FHL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002012	Gen de la tríada de la histidina frágil (FHIT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000143	Fumarato hidratasa (FH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002002	Receptor del fragmento Fc de IgE de alta afinidad II (CD23A) (FCER2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002001	Polipéptido alfa del receptor del fragmento Fc de IgE de alta afinidad I; (FCERIA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_002000	Receptor del fragmento Fc de IgA (FCAR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003837	Fructosa-1,6-bisfosfatasa 2 (FBP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001998	Fibulina 2 (FBLN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003923	Caja forkhead H1 (FOXH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003950	Receptor tipo 3 del factor de coagulación n (trombina) (F2RL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003975	Proteína 2A del dominio SH2 (SH2D2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001440	Exostosas (multiple) tipo 3 (EXTL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001988	Envoplaquina (EVPL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001985	Polipéptido beta de la flavoproteína de transferencia de elect (ETFB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000126	Polipéptido alfa de la flavoproteína de transferencia de electrones (aciduria glutárica 1T) (ETFA) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_001438	Receptor relacionado con estrógeno gamma (ESRRG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000125	Receptor de estrógenos 1 (ESR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000123	Deficiencia reparadora en complementación cruzada por la reparación con excisión en roedores, grupo de complementación 5 (xerodermia pigmentosa, grupo de complementación G (síndrome de Cockayne)) (ERCC5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001983	Deficiencia reparadora en complementación cruzada por la reparación con excisión en roedores (incluye secuencia solapante de sentido contrario) (ERCC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000502	Eosinofil peroxidasa (EPX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001981	Epidérmico ruta del sustrato para el receptor del factor de crecimiento 15 (EPS 15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000799	Eritropoyetina (EPO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001980	Epimorfina (EPIM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001431	Banda 4.1 Similar a 2 de la Proteína de membrana del eritrocito (EPB41L2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001430	Proteína 1 del dominio endotelial PAS (EPAS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001977	Glutamilamino peptidasa (aminopeptidasa A) (ENPEP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001974	Secuencia 1 tipo receptor hormonal análoga de mucina que contiene un módulo tipo egf (EMR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001425	Proteína de membrana epitelial 3 (EMP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001424	Proteína de membrana epitelial 2 (EMP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001423	Proteína de membrana epitelial 1 (EMP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001421	Factor 4 análogo de E74 (factor de transcripción del dominio ets) (ELF4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001419	ELAV tipo <i>Drosophila</i> (letal para embriones, visión anormal) 1 (antígeno R de Hu) (ELAVL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001972	Elastasa 2, neutrófilos (ELA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001970	Factor de inicio de la traducción eucariota 5A (EIF5A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001418	Factor de inicio de la traducción eucariota 4 gamma, 2 (EIF4G2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003732	Proteína de unión 3 al factor de inicio de la traducción eucariota 4E (EIF4EBP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001968	Factor de inicio de la traducción eucariota 4E (EIF4E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001416	Factor de inicio de la traducción eucariota 4A, isoforma 1 (EIF4A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003753	Factor de inicio de la traducción eucariota 3, subunidad 7 (zeta, 66/67 kD) (EIF3S7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001568	Factor de inicio de la traducción eucariota 3, subunidad 6 (48 kD) (EIF3S6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003754	Factor de inicio de la traducción eucariota 3, subunidad 5 (épsilon, 47 kD) (EIF3S5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003757	Factor de inicio de la traducción eucariota 3, subunidad 2 (beta, 36 kD) (EIF3S2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003750	Factor de inicio de la traducción eucariota 3, subunidad 10 (theta, 150/170 kD) (EIF3S10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001415	Factor de inicio de la traducción eucariota 2, subunidad 3 (gamma, 52 kD) (EIF2S3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003908	Factor de inicio de la traducción eucariota 2, subunidad 2 (beta, 38 kD) (EIF2S2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001966	Enoil-Coenzima A, hidratasa/3-hidroxiacil Coenzima A deshidrogenasa (EHHADH) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_001965	Respuesta 4 del crecimiento temprano (EGR4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001964	Respuesta 1 del crecimiento temprano (EGR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001406	Efrina-B3 (EFNB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001962	Efrina-A5 (EFNA5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001405	Efrina-A2 (EFNA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001961	Factor 2 de elongación de la traducción eucariota (EEF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001958	Factor 1 de elongación de la traducción eucariota alfa 2 (EEF1A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001956	Endotelina 2 (EDN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001955	Endotelina 1 (EDN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003775	Diferenciación endotelial, G-receptor acoplado a proteína 6 (EDG6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001399	Displasia ectodérmica 1, anhidrótica (ED1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001397	Enzima convertidora de endotelina 1 (ECE1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003240	Factor asociado al sangrado endometrial (determinación izquierda-derecha, factor A; superfamilia del factor de crecimiento transformante beta) (EBAF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001948	DUTP pirofosfatasa (DUT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001945	Receptor de la toxina diftérica (factor de crecimiento análogo al factor de crecimiento epidérmico de unión a heparina) (DTR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001939	Proteína relacionada con distrofina 2 (DRP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001938	Regulador por defecto de la transcripción 1, unión a TBP (cofactor negativo 2) (DR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001387	Dihidropirimidinasa tipo 3 (DPYSL3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001385	Dihidropirimidinasa (DPYS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001935	Dipeptidil peptidasa IV (CD26, adenosina desaminasa que compleja la proteína 2) (DPP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003863	Dolcil-fosfato manosil transferasa, subunidad reguladora del polipéptido 2 (DPM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001380	Dedicador de la citocinesis 1 (DOCK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001379	ADN (ciasine-5-)-metiltransferasa 1 (DNMT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001375	Deoxiribonucleasa II, lisosómica (ADNSE2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001374	Deoxiribonucleasa I tipo 2 (ADNSE1L2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001934	Homosecuencia distal-less 4 (DLX4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001933	Dihidrolipoamida S-succiniltransferasa (componente E2 del complejo del 2-oxo-glutarato) (DLS T) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001362	Desyodinasa, yodotironina, tipo III (DIO3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001360	7-deshidrocolesterol reductasa (DHCR7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003670	Dominio básico que contiene hélice-bucle-hélice, clase B, 2 (BHLHB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001354	Miembro C2 de la familia 1 de la aldo-cetoreductasa, (dihidrodiol deshidrogenasa 2; proteína de unión a ácidos biliares; 3-alfahidroxiesteroide deshidrogenasa, tipo 1II) (AKR1C2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000790	Dopa descarboxilasa (L-aminoácido aromático descarboxilasa) (DDC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000789	Dipeptidil carboxipeptidasa 1 (enzima convertora de angiotensina I) (ACE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001920	Decorina (DCN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000788	Desoxicitidina cinasa (DCK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001919	Dodecenoil-Coenzima A delta isomerasa (3,2 trans-enoil-Coenzima A isomerasa) (DC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001918	Dihidrolipoamida de cadena ramificada transacilasa (componente E2 de la cadena ramificada del complejo de la cetoácido deshidrogenasa; enfermedad de la orina con olor a sirope de arce) (DBT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001352	Sitio D de la proteína de unión a promotor de albúmina (caja D de albúmina) (DBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001351	Análogo borrado en la azoospermia (DAZL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001350	Proteína 6 asociada a muerte (DAXX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001344	Defensor contra la muerte celular 1 (DAD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003472	Oncogén DEK (unión a ADN) (DEK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000776	Citocromo P450, subfamilia ULA (nifedipina oxidasa), polipéptido 3 (CYP3A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001916	Citocromo c-1 (CYC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001914	Citocromo b-5 (CYB5) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_003928	Secuencia 1 CAAX (CXX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003611	Marco de lectura abierto 5 del cromosoma X (CXORF5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003467	Receptor 4 de la quimiocina (motivo C-X-C), (fusina) (CXCR4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001338	Receptor del virus de coxsackie y adenovirus (CXADR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003478	Culina 5 (CUL5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003591	Culina 2 (CUL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001336	Catepsina Z (CTSZ) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001335	Catepsina W (linfocitina) (CTSW) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001912	Catepsina L (CTSL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001333	Catepsina L2 (CTSL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000396	Catepsina K (picnodisostosis) (CTSK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001911	Catepsina G (CTSG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001910	Catepsina E (CTSE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001909	Catepsina D (lisosómica aspartil proteasa) (CTSD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001814	Catepsina C (CTSC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001908	Catepsina B (CTSB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001907	Análogo a quimiotripsina (CTRL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001906	Quimiotripsinógeno BI (CTRB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001905	CTP sintasa (CTPS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001904	Catenin (proteína asociada a cadherina), beta 1 (88 kD) (CTNNB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003798	Catenin (proteína asociada a cadherina), alfa tipo 1 (CTNNA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001903	Catenin (proteína asociada a cadherina), alfa 1 (102 kD) (CTNNA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001902	Citationasa (citationina gamma-liasa) (CTH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001901	Factor de crecimiento del tejido conjuntivo (CTGF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001330	Cardiotrofina 1 (CTF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000100	Cistatina B (estefina B) (CSTB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003650	Cistatina F (leucocistatina) (CST7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001323	Cistatina E/M (CST6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001900	Cistatina D (CST5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001899	Cistatina S (CST4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000099	Cistatina C (angiopatía amiloidea y hemorragia cerebral) (CST3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001322	Cistatina SA (CST2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001898	Cistatina SN (CST1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001321	Proteína 2 rica en cisteína y glicina (CSRP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001896	Caseína cinasa 2, alfa prime polipéptido (CSNK2A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001895	Caseína cinasa 2, alfa 1 polipéptido (CSNK2A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001894	Caseína cinasa 1, épsilon (CSNKIE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001893	Caseína cinasa 1, delta (CSNKID) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001892	Caseína cinasa 1, alfa 1 (CSNKIA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001891	Caseína, beta (CSN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001890	Caseína, alfa (CSN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000760	Factor estimulante de colonias 3 receptor (granulocitos) (CSF3R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000759	Factor estimulante de colonias 3 (granulocitos) (CSF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000758	Factor estimulante de colonias 2 (granulocitos-macrófagos) (CSF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000757	Factor estimulante de colonias 1 (macrófagos) (CSF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003651	Proteína A del dominio del choque por frío (CSDA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001315	Activada por el mitógeno 4 de la Proteína cinasa 14 (MAPK14) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001884	Proteína de unión a cartílago 1 (CRTL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001313	Proteína 1 mediadora de la respuesta a la colapsina (CRMP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001312	Proteína rica en cisteína 2 (CRIP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001311	Proteína rica en cisteína 1 (intestinal) (CRIP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000756	Hormona liberadora de corticotropina (CRH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001881	Elemento modulador sensible a AMP (CREM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003851	Represor celular de genes estimulados por EIA (CREG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001310	Proteína de unión a elemento sensible a AMPc tipo 2 (CREBL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001880	Activador 2 del factor de transcripción (ATF2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003805	Dominio que contiene CASP2 y RIPK1 del adaptador con dominio de muerte (CRADD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001877	Receptor 2 del componente del complemento (virus 3d/Epstein Barr) (CR2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000098	Carnitina palmitoil transferasa n (CPT2) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_001876	Carnitina palmitoil transferasa 1, hígado (CPT1A) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_001875	Carbamoil-fosfato sintetasa 1, mitocondrial (CPS1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_000097	Coproporfirógeno oxidasa (coproporfirina, harderoporfirina) (CPO) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001871	Carboxipeptidasa B1 (tejido) (CPB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001870	Carboxipeptidasa A3 (mastocito) (CPA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001869	Carboxipeptidasa A2 (Pancréatica) (CPA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001868	Carboxipeptidasa A1 (Pancréatica) (CPA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003571	Proteína 2 del filamento estructural agrupado, faquinina (BFSP2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001302	Cortistatina (CORT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003832	Análogo de la fosfoserina fosfatasa (PSPHL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001843	Contactina 1 (CNTN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001842	Receptor del factor ciliar neurotrófico (CNTFR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001839	Calponina 3, ácida (CNN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001299	Calponina 1, básica, músculo liso (CNN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001297	Canal beta 1 regulado por nucleótidos cíclicos 1 (CNGB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001298	Canal alfa 3 regulado por nucleótidos cíclicos (CNGA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000087	Canal alfa 1 regulado por nucleótidos cíclicos (CNGA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003570	Citidina ácido monofosfato-N-acetilneuramínico hidroxilasa (CMP-N-acetilneuraminato monooxigenasa) (CMAH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001836	Quimasa 1, mastocito (CMA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001831	Clusterina (inhibidor complementario de la lisis, SP-40,40, glucoproteína 2 sulfatada, mensaje 2 de la próstata con represión de testosterna, apolipoproteína J) (CLU) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001294	Proteína transmembrana 1 asociada a fisura labio-palatina (CLPTM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003476	Proteína 3 rica en cisteína y glicina (proteína LIM cardíaca) (CSRP3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001293	Canal del cloruro sensible a nucleótidos, 1A (CLNSIA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003277	Claudina 5 (proteína que atraviesan la membrana borrada en el síndrome velocardiofacial) (CLDN5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001306	Claudina 3 (CLDN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001829	Canal del cloruro 3 (CLCN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001284	Subunidad sigma de la Proteína 1 del adaptador relacionada con el complejo 3, (AP3S1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001827	Proteína cinasa 2 de CDC28 (CKS2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001826	Proteína cinasa 1 de CDC28 (CKS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001824	Creatina cinasa, músculo (CKM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001823	Creatina cinasa, cerebro (CKB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001281	Proteína 1 asociada a l citoesqueleto (CKAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003613	Proteína de la capa intermedia del cartílago, nucleótido pirofosfohidrolasa (CILP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001278	Cinasa ubicua conservada hélice-bucle-hélice (CHUK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003654	Hidrato de carbono (condroitina 6/queratano) sulfotransferasa 1 (CHST1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000750	Polipéptido beta 4 del receptor colinérgico nicotínico (CHRN4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000749	Polipéptido beta 3 del receptor colinérgico nicotínico (CHRN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000748	Polipéptido beta 2 del receptor colinérgico nicotínico (neuronal) (CHRN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000746	Polipéptido alfa 7 del receptor colinérgico nicotínico (CHARN7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000745	Polipéptido alfa 5 del receptor colinérgico nicotínico (CHARN5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000744	Polipéptido alfa 4 del receptor colinérgico nicotínico (CHARN4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000743	Polipéptido alfa 3 del receptor colinérgico nicotínico (CHARN3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000742	Polipéptido alfa 2 del receptor colinérgico nicotínico, (neuronal) (CHARN2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000741	Receptor colinérgico muscarínico 4 (CHRM4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000740	Receptor colinérgico muscarínico 3 (CHRM3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000739	Receptor colinérgico muscarínico 2 (CHRM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000738	Receptor colinérgico muscarínico 1 (CHRM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001822	Quimerina (quimerina) 1 (CHN1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001821	Análogo de coroideremia tipo (proteína Rab escolta 2) (CHML) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001819	Cromogranina B (secretogranina 1) (CHGB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001269	Condensación 1 del cromosoma (CHC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001267	Condroadherina (CHAD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001817	Molécula de adhesión celular 4 relacionada con el antígeno carcinoembrionario (CEACAM4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001816	Molécula de adhesión celular 8 relacionada con el antígeno carcinoembrionario (CEACAM8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001815	Molécula de adhesión celular 3 relacionada con el antígeno carcinoembrionario (CEACAM3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003663	Proteína de unión 1 al triplete CGG repetido (CGGBP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001813	Proteína del centrómero E (312 kD) (CENPE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001808	Análogo de la carboxil éster lipasa (análogo de la lipasa estimulada por sales biliares) (CELL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001807	Carboxil éster lipasa (lipasa estimulada por sales biliares) (CEL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001805	CCAAT/potenciador de la Proteína de unión (C/EBP), épsilon (CEBPE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001265	Factor de transcripción 2 de la caja homeótica tipo caudal (CDX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001804	Factor de transcripción 1 de la caja homeótica tipo caudal (CDX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001803	Antígeno CDW52 (antígeno CAMPATH-1) (CDW52) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001264	Corneodesmosina (CDSN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001263	CDP-diacylglicerolsintasa (fosfatidato citidil transferasa) 1 (CDS 1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001801	Cisteína dioxigenasa, tipo 1 (CDO1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001769	Antígeno CD9 (P24) (CD9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001768	Polipéptido alfa del antígeno CD8, (P32) (CD8A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003874	Antígeno CD84 (antígeno leucocitario) (CD84) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001781	Antígeno CD69 (P60, antígeno de activación temprana de los linfocitos T) (CD69) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001780	Antígeno CD63 (antígeno del melanoma 1) (CD63) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001779	Antígeno CDS 8, (antígeno 3 asociado a la función del linfocito) (CD58) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001778	Antígeno CD48 (proteína de membrana de los linfocitos b) (CD48) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001777	Antígeno CD47 (antígeno relacionado con Rh, transductor de la señal relacionada con integrina) (CD47) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000733	Polipéptido épsilon del antígeno CD3E (complejo TiT3) (CD3E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000732	Polipéptido delta del antígeno CD3D (complejo TiT3) (CD3D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001776	Ectonucleósido trifosfato difosfohidrolasa 1 (ENTPD1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001775	Antígeno CD38 (P45) (CD38) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001774	Antígeno CD37 (CD37) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001773	Antígeno CD34 (CD34) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003830	Lectina 5 análoga a Ig de unión a ácido siálico (SIGLEC5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001245	Lectina 6 análoga a Ig de unión a ácido siálico (SIGLEC6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001772	Antígeno CD33 (Ep67) (CD33) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001767	Antígeno CD2 (P50), receptor de eritrocitos de la oveja (CD2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001771	Antígeno CD22 (CD22) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001766	Polipéptido d del antígeno 1D de CD (CD1D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001765	Polipéptido c del antígeno 1C de CD (CD1C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001764	Polipéptido b del antígeno 1B de CD (CD1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001838	Receptor 7 de la quimiocina (motivo C-C) (CCR7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001837	Receptor 3 de la quimiocina (motivo C-C) (CCR3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001758	Ciclina D1 (PRAD1 adenomatosis paratiroidea 1) (CCND1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000731	Receptor B de la colecistoquinina (CCKBR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000730	Receptor A de la colecistoquinina (CCKAR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001757	Carbonil reductasa 1 (CBR1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001754	Factor de transcripción 1 relacionado con runt- (mieloide leucemia aguda1; oncogén aml1) (RUNX1), mRNA
NM_003688	Serina Proteína cinasa dependiente de calcio/calmodulina (familia MAGUK) (CASK) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001747	Proteína protectora (filamento de actina), análoga a gelsolina (CAPG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001744	Proteína cinasa IV dependiente de calcio/calmodulina (CAMK4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001743	Calmodulina 2 (Fosforilasa cinasa, delta) (CALM2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001742	Receptor de la calcitonina (CALCR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001741	Polipéptido alfa de calcitonina/ relacionado con calcitonina (CALCA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000727	Subunidad gamma 1 del canal de calcio dependiente de tensión (CACNG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000726	Subunidad beta 4 del canal de calcio dependiente de tensión (CACNB4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000725	Subunidad beta 3 del canal de calcio dependiente de tensión (CACNB3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000724	Subunidad beta 2 del canal de calcio dependiente de tensión (CACNB2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM. 000723	Subunidad beta 1 del canal de calcio dependiente de tensión, (CACNB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_000721	Subunidad alfa 1E del canal de calcio dependiente de tensión, (CACNA1E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000720	Subunidad alfa 1D del canal del calcio tipo L dependiente de la tensión (CACNA1D) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000719	Subunidad alfa 1C del canal del calcio tipo L dependiente de la tensión, (CACNA1C) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000718	Subunidad alfa 1B del canal del calcio tipo L dependiente de la tensión, (CACNA1B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001739	Anhidrasa carbónica VA mitocondrial (CA5A) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_001738	Anhidrasa carbónica I (CA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001737	Componente del complemento 9 (C9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001736	Receptor 1 del componente del complemento 5 (C5a ligy) (C5R1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001735	Componente del complemento 5 (C5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003956	Colesterol 25-hidroxilasa (CH25H) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001734	Subcomponente s del componente del complemento 1, (C1S) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001733	Subcomponente r del componente del complemento 1, (C1R) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001732	Miembro A1 de la subfamilia 1 de la butirofilina, (BTN1A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001731	Gen 1 de translocación de linfocitos b, antiproliferativo (BTG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001729	Betacelulina (BTC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001728	Basigina (BSG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003742	Miembro 11 de la subfamilia B (MDR/TAP) del casete de unión a ATP, (ABCB11) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001727	Receptor 3 análogo de bombesina (BRS3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000059	Inicio temprano 2 del cáncer de mama (BRCA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001725	Proteína que aumenta la permeabilidad del bactericida (BP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001724	2,3-bisfosfoglicerato mutasa (BPGM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001723	Antígeno 1 del penfigoide ampolloso (230/240 kD) (BPAG1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001717	Basonuclina (BNC) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001722	Complemento de sensibilidad a la temperatura (BHK21) de BN51 (BN51T) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001721	Tirosina cinasa del no receptor BMX (BMX) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001203	Receptor tipo 1B de la Proteína morfogenética ósea, (BMPRII) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001720	Proteína morfogenética ósea 8 (proteína osteogénica 2) (BMP8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001719	Proteína morfogenética ósea 7 (proteína osteogénica 1) (BMP7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001202	Proteína morfogenética ósea 4 (BMP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000713	Biliverdina reductasa B (flavina reductasa (NADPH)) (BLVRB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000712	Biliverdina reductasa A (BLVRA) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001713	Betaína-homocisteína metil transferasa (BHMT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001712	Molécula de adhesión celular 1 relacionada con el antígeno carcinoembrionario (glucoproteína biliar) (CEACAM1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001711	Biglucano (BGN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000711	Gamma-carboxiglutamato (gla), proteína ósea, (osteocalcina) (BGLAP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001709	Factor neurotrófico derivado de cerebro (BDNF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000710	Receptor BI de la bradiquinina (BDKRB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001707	Linfocitos b 7B en LLC/linfoma (BCL7B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001706	Linfocitos b 6 en LLC/linfoma (Proteína de dedo de cinc 51) (BCL6) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003921	Linfocitos b 10 en LLC/linfoma (BCL10) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003657	Secuencia 1 amplificada de carcinoma de mama (BCAS1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001188	BCL2-antagonista/desactivador 1 (BAK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001704	Inhibidor 3 de la angiogénesis cerebral específica (BAI3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001703	Inhibidor 2 de la angiogénesis cerebral específica (BAI2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001702	Inhibidor 1 de la angiogénesis cerebral específica (BAH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001186	Factor de transcripción 1 básico con cremallera de leucina homólogo para BTB y CNC, (BACH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001701	Coenzima A de la aminoácido N-aciltransferasa (glicina N-coloil transferasa) de la bilis (BAAT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001185	Glucoproteína cinc-alfa-2, (AZGP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001184	Ataxia análogo a telangiectasia y Rad3 (ATR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000053	ATPasa, polipéptido beta transportador de Cu ⁺⁺ , (enfermedad de Wilson) (ATP7B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003945	ATPasa, transportador lisosómico de H ⁺ (vacuolar proan pimip) 9 kD (ATP6H) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001696	ATPasa, transportador lisosómico de H ⁺ (bomba de protones vacuolar) 31 kD (ATP6E) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001693	ATPasa, transportador lisosómico de H ⁺ (bomba de protones vacuolar), beta polipéptido, 56/58 kD, isoforma 2 (ATP6B2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001692	ATPasa, transportador lisosómico de H ⁺ (bomba de protones vacuolar), beta polipéptido, 56/58 kD, isoforma 1 (ATP6B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001691	ATPasa, transportador lisosómico de H ⁺ (bomba de protones vacuolar), polipéptido alfa, 70 kD, isoforma 2 (ATP6A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001690	ATPasa, transportador lisosómico de H ⁺ (bomba de protones vacuolar), polipéptido alfa, 70 kD, isoforma 1 (ATP6A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001697	ATP sintasa, subunidad 0 del transportador de H ⁺ del complejo mitocondrial FI, (proteína que confiere sensibilidad a la oligomicina) (ATP50) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001686	ATP sintasa, polipéptido beta transportador de H ⁺ del complejo mitocondrial FI, (ATP5B) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_000704	ATPasa, polipéptido alfa intercambiador de H ⁺ /K ⁺ , (ATP4A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001684	ATPasa, transportador de Ca ⁺⁺ , membrana plasmática 4 (ATP2B4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001682	ATPasa, transportador de Ca ⁺⁺ , membrana plasmática 1 (ATP2B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001681	ATPasa, transportador de Ca ⁺⁺ , músculo cardíaco, contracción lenta 2 (ATP2A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001679	ATPasa, polipéptido beta 3 transportador de Na ⁺ /K ⁺ (ATP1B3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001678	ATPasa, polipéptido beta 2 transportador de Na ⁺ /K ⁺ (ATP1B2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001677	ATPasa, polipéptido beta 1 transportador de Na ⁺ /K ⁺ (ATP1B1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000703	ATPasa, polipéptido alfa 3 transportador de Na ⁺ /K ⁺ (ATP 1 A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000702	ATPasa, polipéptido alfa 2 (+) transportador de Na ⁺ /K ⁺ (ATP1 A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000701	Transportador de ATPasa, Na ⁺ /K ⁺ , alfa 1 polipéptido (ATP1A1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000051	Ataxia telangiectasia mutada (incluye los grupos de complementación A, C y D) (ATM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001675	Activador del factor de transcripción 4 (tax- elemento potenciador B67 sensible a tax) (ATF4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001673	Asparagina sintetasa (ASNS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000048	Argininosuccinato liasa (ASL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001670	Gen armadillo con repetición borrada en el síndrome velocardiofacial (ARVCF) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001179	ADP ribosil transferasa 3 (ART3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000047	Arilsulfatasa E (condrodysplasia punctata 1) (ARSE) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001178	Análogo del translocador del receptor nuclear de hidrocarburos de arilo (ARNTL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001668	Translocador del receptor nuclear de hidrocarburos de arilo (ARNT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001667	Factor 2 análogo de la ribosilación del ADP (ARL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001176	Inhibidor gamma de la disociación de GDP de Rho (GDI) (ARHGDIG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001665	Miembro G de la familia del gen homólogo de ras, (rho G) (ARHG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001661	Factor 4 análogo de la ribosilación del ADP (ARF4L) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001659	Factor 3 de ribosilación del ADP (ARF3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001657	Anfiregulina (factor de crecimiento derivado de schwannoma) (AREG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001654	Oncogén homólogo 1 v-raf del sarcoma murino vírico 3611 (ARAF1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001169	Acuoporina 8 (AQP8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001651	Acuoporina 5 (AQP5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001648	Calicreína 3, (antígeno específico de la próstata) (KLK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000484	Proteína precursora del amiloide beta (A4) (Proteasa nexina-E, enfermedad de Alzheimer) (APP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001647	Apolipoproteína D (APOD) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001646	Apolipoproteína C-IV (APOC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000384	Apolipoproteína B (incluyendo el antígeno Ag(x)) (APOB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001643	Apolipoproteína A-II (APOA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001168	LAP baculovírico que contiene la repetición 5 (survivina) (BIRC5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001167	LAP baculovírico que contiene la repetición 4 (BIRC4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001164	Miembro 1 (Fe65) de la familia B de la Proteína de unión a precursor del amiloide beta (A4)
NM_001163	Miembro 1 (XI1) de la familia A de la Proteína de unión a precursor del amiloide beta (A4), (APBA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001161	Motivo tipo nudix (resto unido a nucleósido difosfato X) 2 (NUDT2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001637	Aciloxiacil hidrolasa (neutrófilo) (AOAH) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001630	Anexina A8 (ANXA8) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm Motivo tipo nudix (resto unido a nucleósido difosfato X)
NM_003568	Anexina A9 (ANXA9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000700	Anexina A1 (ANXA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001152	Miembro 5 de la familia 25 de transportadores de solutos (transportador mitocondrial; translocadora del nucleótido adenina), (SLC25A5) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_001151	Miembro 4 de la familia 25 de transportadores de solutos (transportador mitocondrial; translocadora del nucleótido adenina), (SLC25A4) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_001150	Alanil aminopeptidasa (membrana) (aminopeptidasa N, aminopeptidasa M, aminopeptidasa microsómica, CD13, p150) (ANPEP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_001146	Angiopoyetina 1 (ANGPT1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000699	Alfa amilasa pancreática2A (AMY2A) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000481	Aminometiltransferasa (proteína T del sistema de escisión de la glicina) (AMT) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000480	Adenosin monofosfato desaminasa (isoforma E) (AMPD3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001144	Receptor del factor de la motilidad autocrina (AMFR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001143	Amelogenina (cromosoma Y) (AMELY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001633	Precursor de la alfa-1-microglobulina/bicunina (AMBP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000698	Araquidonato-5 lipoxigenasa (ALOX5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001140	Araquidonato-15 lipoxigenasa (ALOX15) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001139	Araquidonato-12 lipoxigenasa, 12R tipo (ALOX12B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000697	Araquidonato-12 lipoxigenasa (ALOX12) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001628	Miembro B1 (aldosa reductasa) de la familia 1 de la aldo-cetoreductasa, (AKRIB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000696	Aldehído deshidrogenasa 9 (gamma-aminobutiraldehído deshidrogenasa, E3 isozima) (ALDH9) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000692	Aldehído deshidrogenasa 5 (ALDH5) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003748	Aldehído deshidrogenasa 4 (glutamato gamma-semialdehído deshidrogenasa; pirrolina-5-carboxilato deshidrogenasa) (ALDH4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000690	Aldehído deshidrogenasa 2, mitocondrial (ALDH2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000689	Aldehído deshidrogenasa 1, soluble (ALDH1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001627	Molécula de adhesión celular activada por leucocitos (ALCAM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000688	Delta-aminolevulinato sintasa 1 (ALAS1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_003689	Miembro A2 (aflatoxina aldehído reductasa) de la familia 7 de la aldo-cetoreductasa, (AKR7A2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003886	Proteína de anclado 4 a la cinasa A (PRKA), (AKAP4) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003488	Proteína de anclado 1 a la cinasa A (PRKA), (AKAP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001622	Glucoproteína alfa-2-HS (AHSG) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003659	Alquilglicerona fosfato sintasa (AGPS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001133	Afamina (AFM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001131	Glucoproteína tipo 1 ácida del epidídimo (AEGL1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_003938	Proteína del adaptador relacionada con el complejo 3, subunidad delta 1 (AP3D1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001127	Proteína del adaptador relacionada con el complejo 1, subunidad beta 1 (APIB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000676	Receptor A2b de la adenosina (ADORA2B) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000674	Receptor A1 de la adenosina (ADORA1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001124	Adrenomedullina (ADM) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001120	Proteína transportadora tipo tetraciclina (TETTRAN) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001118	Receptor tipo 1 del polipéptido activador de la adenilato ciclasa 1 (Pituitaria) (ADCYAP1R1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000666	Aminoacilasa 1 (ACY1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001613	Alfa 2 actina, músculo liso, aorta (ACTA2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001097	Acrosina (ACR) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003501	Acil-coenzima A oxidasa 3, pristanoílo (ACOX3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003500	Acil-coenzima A oxidasa 2, de cadena ramificada (ACOX2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001098	Aconitasa 2 mitocondrial (AC02) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_001096	ATP citrato liasa (ACLY) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001609	Acil-coenzima A deshidrogenasa, de cadena corta/ramificada (ACADSB) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_001608	Acil-coenzima A deshidrogenasa, de cadena larga (ACADL) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001093	Acetil-coenzima A carboxilasa beta (ACACB) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001089	Casete de unión a ATP, sub-familia A (ABC1), miembro 3 (ABCA3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_000663	4-aminobutirato aminotransferasa (ABAT) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_001605	Alanil-ARNt sintetasa (AARS) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_021123	Antígeno G7 (GAGE7) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_006994	Miembro A3 de la subfamilia 3 de la butirofilina, (BTN3A3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001812	Proteína del centrómero C 1 (CENPC1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_015983	Enzima conjugadora d ubiquitina HBUCE1 (LOC51619) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_009590	Amino oxidasa 2 que contiene cobre (específica de la retina) (AOC2) de <i>Homo sapiens</i> , variante del transcrito 2, ARNm
NM_001159	Aldehído oxidasa 1 (AOX1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

(continuación)

Nº de Acc	Descripción
NM_007326	Diaforasa (NADH) (citocromo b-5 reductasa) (DIA1) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, variante del transcrito S, ARNm
NM_005158	Variante del transcrito a del oncogén v-abl homólogo 2 de la leucemia murina de Abelson vírico (gen relacionado con la enfermedad de Abelson) (ABL2) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004441	EphBI (EPHB1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004089	Péptido inductor del sueño delta, inmunorreceptor (DSIP1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_004077	Citrato sintasa (CS) de <i>Homo sapiens</i> , gen nuclear que codifica la proteína mitocondrial, ARNm
NM_003890	Proteína de unión a Fc de IgG (FC(GAMMA)BP) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_003582	Cinasa de fosforilación 3 regulada por la tirosina-(Y) de doble especificidad (DYRK3) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm
NM_001396	Cinasa de fosforilación 1 regulada por la tirosina-(Y) de doble especificidad (DYRK1) de <i>Homo sapiens</i> , ARNm

Características

- 5 1. Una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) bicatenaria que regula negativamente la expresión de un gen diana de mamífero endógeno, en la que dicha molécula de ANic comprende una o más modificaciones químicas y cada cadena de dicho ANic bicatenario comprende aproximadamente 21 nucleótidos.
2. La molécula de ANic de la característica 1, en la que dicha molécula de ANic no comprende ribonucleótidos.
3. La molécula de ANic de la característica 1, en la que dicha molécula de ANic comprende ribonucleótidos.
- 10 4. La molécula de ANic de la característica 1, en la que una de las cadenas de dicha molécula de ANic bicatenaria comprende una secuencia de nucleótidos que es complementaria de una secuencia de nucleótidos del gen diana de mamífero endógeno o una parte del mismo, y en la que la segunda cadena de dicha molécula de ANic bicatenaria comprende una secuencia de nucleótidos sustancialmente similar a la secuencia de nucleótidos del gen diana de mamífero endógeno o una parte del mismo.
- 15 5. La molécula de ANic de la característica 4, en la que cada cadena de la molécula de ANic comprende de aproximadamente 19 a aproximadamente 23 nucleótidos, y en la que cada cadena comprende al menos aproximadamente 19 nucleótidos que son complementarios de los nucleótidos de la otra cadena.
- 20 6. La molécula de ANic de la característica 1, en la que dicha molécula de ANic comprende una región antisentido que comprende una secuencia de nucleótidos que es complementaria de una secuencia de nucleótidos del gen diana de mamífero endógeno o una parte del mismo, y en la que dicho ANic comprende además una región con sentido, en la que dicha región con sentido comprende una secuencia de nucleótidos sustancialmente similar a la secuencia de nucleótidos de dicho gen diana de mamífero endógeno o una parte del mismo.
- 25 7. La molécula de ANic de la característica 6, en la que dicha región antisentido y dicha región con sentido comprenden cada una de aproximadamente 19 a aproximadamente 23 nucleótidos, y en la que dicha región antisentido comprende al menos aproximadamente 19 nucleótidos que son complementarios de nucleótidos de la región con sentido.
- 30 8. La molécula de ANic de la característica 1, en la que dicha molécula de ANic comprende una región con sentido y una región antisentido y en la que dicha región antisentido comprende una secuencia de nucleótidos que es complementaria de una secuencia de nucleótidos de ARN codificada por el gen diana de mamífero endógeno o una parte del mismo y dicha región con sentido comprende una secuencia de nucleótidos que es complementaria de dicha región antisentido.

9. La molécula de ANic de la característica 6, en la que dicha molécula de ANic es ensamblada de dos fragmentos oligonucleotídicos separados, en la que un fragmento comprende la región con sentido y el segundo fragmento comprende la región antisentido de dicha molécula de ANic.
- 5 10. La molécula de ANic de la característica 6, en la que dicha región con sentido está conectada con la región antisentido mediante una molécula de engarce.
11. La molécula de ANic de la característica 10, en la que dicha molécula de engarce es un engarce polinucleotídico.
12. La molécula de ANic de la característica 10, en la que dicha molécula de engarce es un engarce no nucleotídico.
- 10 13. La molécula de ANic de la característica 6, en la que los nucleótidos de pirimidina en la región con sentido son nucleótidos de 2'-O-metil pirimidina.
14. La molécula de ANic de la característica 6, en la que los nucleótidos de purina en la región con sentido son nucleótidos de 2'-desoxi purina.
- 15 15. La molécula de ANic de la característica 6, en la que los nucleótidos de pirimidina presentes en la región con sentido son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina.
16. La molécula de ANic de la característica 9, en la que el fragmento que comprende dicha región con sentido incluye un resto de protección terminal en el extremo 5', el extremo 3', o los extremos tanto 5' como 3' del fragmento que comprende dicha región con sentido.
- 20 17. La molécula de ANic de la característica 16, en la que dicho resto de protección terminal es un resto abásico desoxi invertido.
18. La molécula de ANic de la característica 6, en la que los nucleótidos de pirimidina de dicha región antisentido son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina.
19. La molécula de ANic de la característica 6, en la que los nucleótidos de purina de dicha región antisentido son nucleótidos de 2'-O-metil purina.
- 25 20. La molécula de ANic de la característica 6, en la que los nucleótidos de purina de dicha región antisentido comprenden nucleótidos de 2'-desoxi-purina.
21. La molécula de ANic de la característica 18, en la que dicha región antisentido comprende un enlace internucleotídico de fosforotioato en el extremo 3' de dicha región antisentido.
- 30 22. La molécula de ANic de la característica 6, en la que dicha región antisentido comprende una modificación de glicerilo en el extremo 3' de dicha región antisentido.
23. La molécula de ANic de la característica 9, en la que cada uno de los dos fragmentos de dicha molécula de ANic comprende 21 nucleótidos.
- 35 24. La molécula de ANic de la característica 23, en la que aproximadamente 19 nucleótidos de cada fragmento de la molécula de ANic forman pares de bases con los nucleótidos complementarios del otro fragmento de la molécula de ANic y en la que al menos dos nucleótidos 3' terminales de cada fragmento de la molécula de ANic no forman pares de bases con los nucleótidos del otro fragmento de la molécula de ANic.
25. La molécula de ANic de la característica 24, en la que cada uno de los dos nucleótidos 3' terminales de cada fragmento de la molécula de ANic son 2'-desoxi-pirimidinas.
26. La molécula de ANic de la característica 25, en la que dicha 2'-desoxi-pirimidina es 2'-desoxi-timidina.
- 40 27. La molécula de ANic de la característica 23, en la que los 21 nucleótidos de cada fragmento de la molécula de ANic forman pares de bases con los nucleótidos complementarios del otro fragmento de la molécula de ANic.
28. La molécula de ANic de la característica 23, en la que aproximadamente 19 nucleótidos de la región antisentido forman pares de bases con la secuencia de nucleótidos del ARN codificado por el gen diana de mamífero endógeno o una parte del mismo.
- 45 29. La molécula de ANic de la característica 23, en la que 21 nucleótidos de la región antisentido forman pares

de bases con la secuencia de nucleótidos del ARN codificado por el gen diana de mamífero endógeno o una parte del mismo.

30. La molécula de ANic de la característica 9, en la que el extremo 5' del fragmento que comprende dicha región antisentido opcionalmente incluye un grupo fosfato.

5 31. La molécula de ANic de la característica 1, en la que dicho gen de mamífero es un gen humano.

32. Una molécula de ácido nucleico de interferencia corta (ANic) bicatenaria que inhibe la expresión de una secuencia de ARN diana de mamífero endógena, en la que cada cadena de dicha molécula de ANic bicatenaria comprende 21 nucleótidos y en la que dicha molécula de ANic no comprende ribonucleótidos.

10 33. La molécula de ANic de la característica 32, en la que dicha secuencia de ARN diana es codificada por un gen humano.

15 34. Una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) bicatenario que inhibe la expresión de un gen diana de mamífero endógeno, en la que cada cadena de dicha molécula de ANic bicatenaria comprende aproximadamente 21 nucleótidos y en la que dicha molécula de ANic no requiere la presencia de un ribonucleótido dentro de la molécula de ANic para la inhibición de expresión de un gen diana de mamífero endógeno.

35. La molécula de ANic de la característica 34, en la que dicho gen diana de mamífero es un gen humano.

36. La molécula de ANic de la característica 31 o característica 35, en la que dicho gen humano es un factor de crecimiento endotelial vascular (VEGF).

20 37. La molécula de ANic de la característica 31 o característica 35, en la que dicho gen humano es un receptor para VEGF.

38. El ANic de la característica 37, en el que dicho receptor es VEGFR1.

39. El ANic de la característica 37, en el que dicho receptor es VEGFR2.

40. El ANic de la característica 37, en el que dicho receptor es VEGFR3.

41. La molécula de ANic de la característica 31 o característica 35, en la que dicho gen humano es BCL2.

25 42. La molécula de ANic de la característica 31 o característica 35, en la que dicho gen humano es HER2/neu.

43. La molécula de ANic de la característica 31 o característica 35, en la que dicho gen humano es c-Myc.

44. La molécula de ANic de la característica 31 o característica 35, en la que dicho gen humano es PCNA.

45. La molécula de ANic de la característica 31 o característica 35, en la que dicho gen humano es REL-A.

46. La molécula de ANic de la característica 31 o característica 35, en la que dicho gen humano es PTP1B.

30 47. La molécula de ANic de la característica 31 o característica 35, en la que dicho gen humano es BACE.

48. La molécula de ANic de la característica 31 o característica 35, en la que dicho gen humano es CHK1.

49. La molécula de ANic de la característica 31 o característica 35, en la que dicho gen humano es PKC-alfa.

50. La molécula de ANic de la característica 31 o característica 35, en la que dicho gen humano es EGFR (HER1).

35 51. Una composición farmacéutica que comprende la molécula de ANic de la característica 1 en un vehículo o diluyente aceptable.

52. Medicamento que comprende la molécula de ANic de la característica 1.

53. Principio activo que comprende la molécula de ANic de la característica 1.

40 54. Uso de una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) bicatenaria para regular negativamente la expresión de un gen diana de mamífero endógeno, en el que dicha molécula de ANic comprende una o más modificaciones químicas y cada cadena de dicho ANic bicatenario comprende aproximadamente 21 nucleótidos.

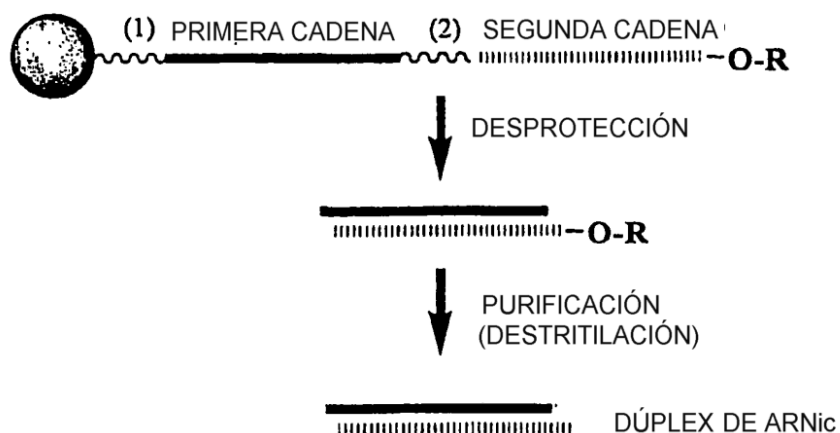
REIVINDICACIONES

1. Una molécula de ácido nucleico de interferencia corto (ANic) sintética modificada químicamente capaz de regular negativamente la expresión de un gen diana en células por interferencia de ARN (iARN), en la que el ANic comprende:

- 5 (a) una cadena con sentido y una cadena antisentido;
- (b) cada cadena de la molécula de ácido nucleico tiene independientemente una longitud de 18 a 24 nucleótidos y el dúplex de ANic comprende de 17 a 23 pares de bases;
- (c) 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más nucleótidos de pirimidina de la cadena con sentido y/o 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más nucleótidos de pirimidina de la cadena antisentido se modifican químicamente con nucleótidos 2'-desoxi, 2'-O-metilo y/o 2'-desoxi-2'-fluoro; y
- 10 (d) estando presentes uno o más enlaces internucleotídicos de fosforotioato y/o una molécula de protección terminal en el extremo 3', el extremo 5' o en ambos extremos 3' y 5', en la misma cadena o en una cadena diferente del ANic
- 15 en la que la molécula de ANic comprende dos fragmentos oligonucleotídicos separados, en la que un fragmento comprende la región con sentido y un segundo fragmento comprende la región antisentido, y en la que el fragmento que comprende la región con sentido incluye un resto de protección terminal en el extremo 5', el extremo 3' o en ambos extremos 5' y 3'.
2. La molécula de ANic de la reivindicación 1, en la que los nucleótidos de purina en la región con sentido son nucleótidos de 2'-desoxi purina y en la que los nucleótidos de pirimidina en la región con sentido son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina.
- 20 3. La molécula de ANic de la reivindicación 1, en la que los nucleótidos de pirimidina de la región antisentido son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina y en la que los nucleótidos de purina en la región antisentido son nucleótidos de 2'-O-metil purina.
4. La molécula de ANic de la reivindicación 1, en la que los nucleótidos de purina presentes en la región antisentido son nucleótidos de 2'-desoxi purina y en la que los nucleótidos de pirimidina presentes en dicha región antisentido son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina.
- 25 5. La molécula de ANic de una cualquiera de las reivindicaciones 1, 3 y 4, en la que dicha región antisentido comprende un enlace internucleotídico de fosforotioato en el extremo 3' de la región antisentido.
6. La molécula de ANic de la reivindicación 1, en la que cada uno de los dos fragmentos de la molécula de ANic comprende 21 nucleótidos.
- 30 7. La molécula de ANic de la reivindicación 1, en la que 19 nucleótidos de cada fragmento de la molécula de ANic están formando pares de bases con los nucleótidos complementarios del otro fragmento de la molécula de ANic, y en la que al menos dos nucleótidos 3'-terminales de cada fragmento de la molécula de ANic no están formando pares de bases con los nucleótidos del otro fragmento de la molécula de ANic.
8. La molécula de ANic de la reivindicación 1, en la que 19 nucleótidos de la región antisentido están formando pares de bases con la secuencia de nucleótidos del ARN que codifica el gen diana o una parte del mismo.
9. La molécula de ANic de la reivindicación 1, en la que 21 nucleótidos de la región antisentido están formando pares de bases con la secuencia de nucleótidos del ARN que codifica el gen diana o una parte del mismo.
10. La molécula de ANic de la reivindicación 1, en la que los nucleótidos de purina en la región con sentido son ribonucleótidos de purina y en la que los nucleótidos de pirimidina en la región con sentido son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina, y en la que el fragmento con sentido incluye un resto de protección terminal en los extremos 5' y 3'.
- 40 11. La molécula de ANic de la reivindicación 1, en la que los nucleótidos de purina en la región con sentido son ribonucleótidos de purina, y en la que los nucleótidos de pirimidina en la región con sentido son nucleótidos de 2'-O-metil pirimidina, y en la que el fragmento con sentido incluye un resto de protección terminal en los extremos 5' y 3'.
- 45 12. La molécula de ácido nucleico de la reivindicación 1, en la que 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más nucleótidos de pirimidina de la cadena con sentido son nucleótidos de 2'-desoxi pirimidina.
13. La molécula de ácido nucleico de la reivindicación 1, en la que 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más nucleótidos de pirimidina de la cadena con sentido son nucleótidos de 2'-O-metil pirimidina.
- 50

14. La molécula de ácido nucleico de la reivindicación 1, en la que 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más nucleótidos de pirimidina de la cadena con sentido son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina.
15. La molécula de ácido nucleico de la reivindicación 1, en la que 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más nucleótidos de pirimidina de la cadena antisentido son nucleótidos de 2'-O-metil pirimidina.
- 5 16. La molécula de ácido nucleico de la reivindicación 1, en la que 5, 6, 7, 8, 9, 10 o más nucleótidos de pirimidina de la cadena antisentido son nucleótidos de 2'-desoxi-2'-fluoro pirimidina.
17. La molécula de ácido nucleico de cualquier reivindicación previa, en la que el resto de protección terminal es un resto abásico desoxi invertido.
18. La molécula de ácido nucleico de cualquier reivindicación previa, que comprende 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9 o 10
10 enlaces internucleotídicos de fosforotioato.
19. La molécula de ácido nucleico de cualquier reivindicación previa, en la que la molécula de ácido nucleico comprende ribonucleótidos.
20. La molécula de ácido nucleico de cualquier reivindicación previa, en la que el ARN diana es una secuencia de ARN de mamífero.
- 15 21. La molécula de ácido nucleico de cualquier reivindicación previa, en la que el ARN diana es una secuencia de ARN humana.
22. La molécula de ácido nucleico de la reivindicación 21, en la que la secuencia de ARN humana comprende secuencias de VEGFr-1, VEGFr-2, HER1, HER2, HER3, HER4, TERT, ARN de telomerasa, NFkappaB, Re1-A, NOGO, NOGO_r, RAS, RAF, CD20, METAP2, CLCA1, fosfolambano o PTP1B humanas.
- 20 23. La molécula de ácido nucleico de una cualquiera de las reivindicaciones 1 a 19, en la que el ARN diana es una secuencia de ARN viral.
24. La molécula de ácido nucleico de la reivindicación 23, en la que la secuencia de ARN viral comprende secuencia de VHB, VHC, VIH-1, VIH-2, WNV, CMV, VSR, virus de la gripe, rinovirus, papilomavirus, VHS o HILV.
- 25 25. Una composición que comprende la molécula de ácido nucleico de cualquier reivindicación previa y un vehículo o diluyente farmacéuticamente aceptable.

Figura 1

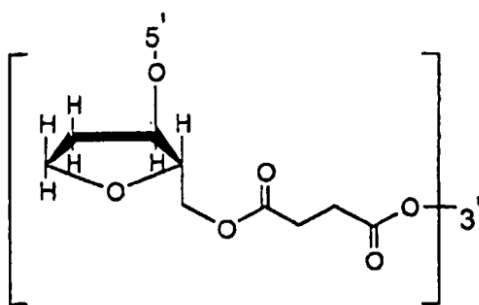


= SOPORTE SÓLIDO

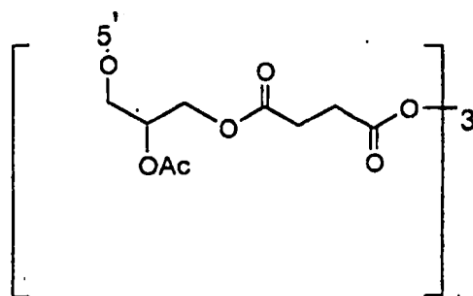
R. = GRUPO PROTECTOR TERMINAL
POR EJEMPLO:
DIMETOXITRITILO (DMT)

(1) = ENGARCE ESCINDIBLE
(POR EJEMPLO: SUCCINATO DE NUCLEÓTIDO O
SUCCINATO ABÁSICO DESOXI INVERTIDO)

(2) = ENGARCE ESCINDIBLE
(POR EJEMPLO: SUCCINATO DE NUCLEÓTIDO O
SUCCINATO ABÁSICO DESOXI INVERTIDO)



ENLACE DE SUCCINATO ABÁSICO DESOXI
INVERTIDO



ENLACE DE SUCCINATO DE GLICERILO

Figura 2

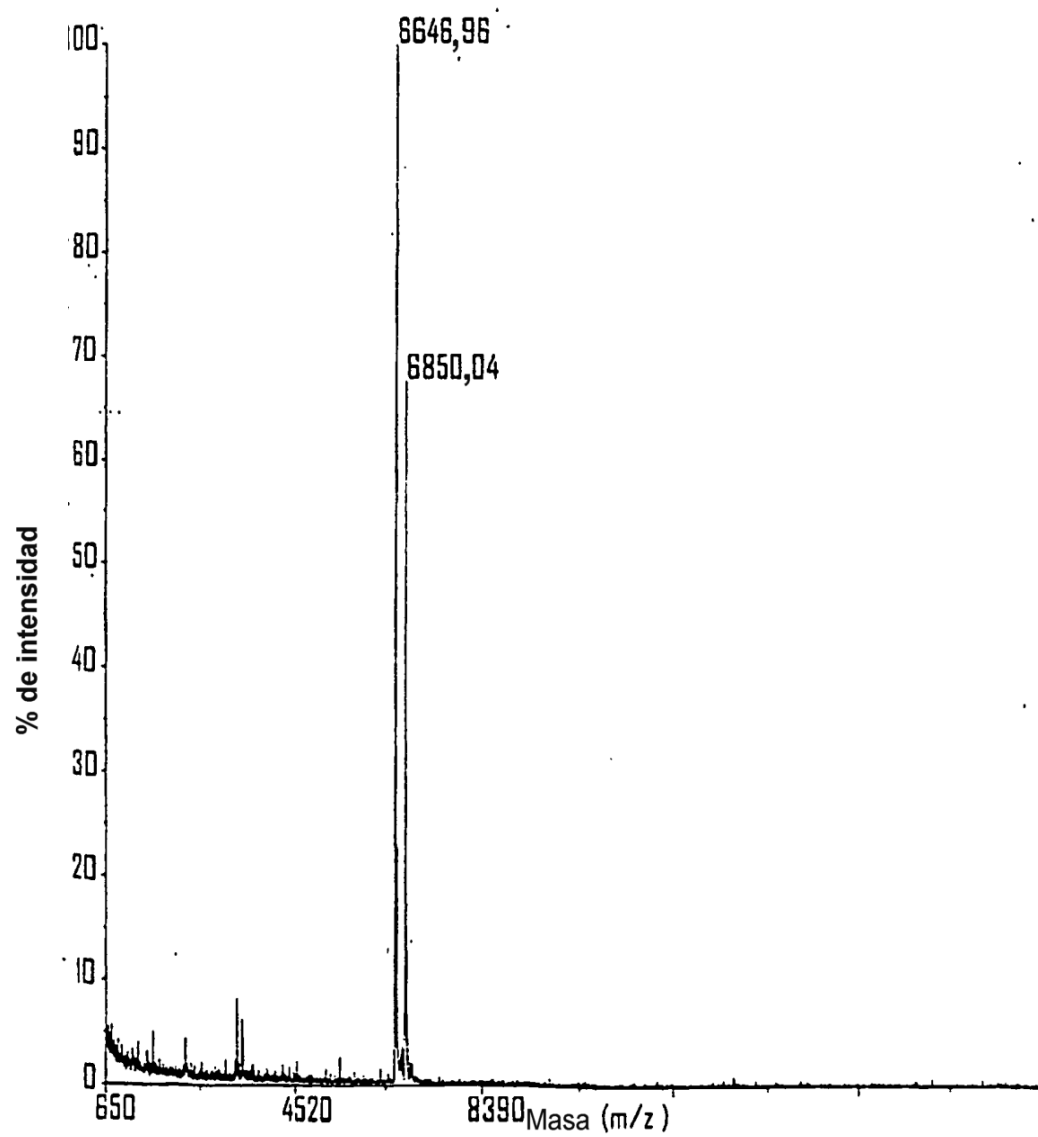


Figura 3

5'-CGUACGCGGAUACUUCGATT (SEC ID N° : 925) $T_{1/2} = 15$ segundos (control)
 3'-TTGCAUGCGCCUUAUGAAGCU (SEC ID N° : 926)
 5'-B cAAccAcAAAAuAcAAcAATT B (SEC ID N° : 925) $T_{1/2} = 138$ min
 3'-TXGuuGGuGuuuuAuGuuGuu (SEC ID N° : 927)
 5'-B cAAccAcAAAAuAcAAcAATT B (SEC ID N° : 925) $T_{1/2} = 3,7$ días
 3'-TDGuuGGuGuuuuAuGuuGuu (SEC ID N° : 928)
 5'-B cAAccAcAAAAuAcAAcAATT B (SEC ID N° : 925) $T_{1/2} = 72$ minutos
 3'-XTGuuGGuGuuuuAuGuuGuu (SEC ID N° : 929)
 5'-B cAAccAcAAAAuAcAAcAATT B (SEC ID N° : 925) $T_{1/2} = 40$ días
 3'-LTGuuGGuGuuuuAuGuuGuu (SEC ID N° : 930)
 5'-B cAAccAcAAAAuAcAAcAATT B (SEC ID N° : 925) $T_{1/2} = 32$ días
 3'-tTGGuGGuGuuuuAuGuuGuu (SEC ID N° : 931)

G, A, U, C = Guanosina, Adenosina, Uridina, Citidina

T = Timidina

Letra minúscula = 2'-desoxi-2'-fluoro

S = fosforotioato

B = abásico desoxi invertido

G = glicina terminal

D = timidina invertida

X = 3'-desoxi timidina

t = L-timidina

L = resto glicerilo

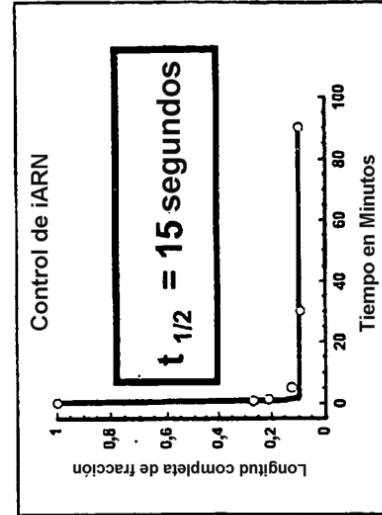


Figura 4

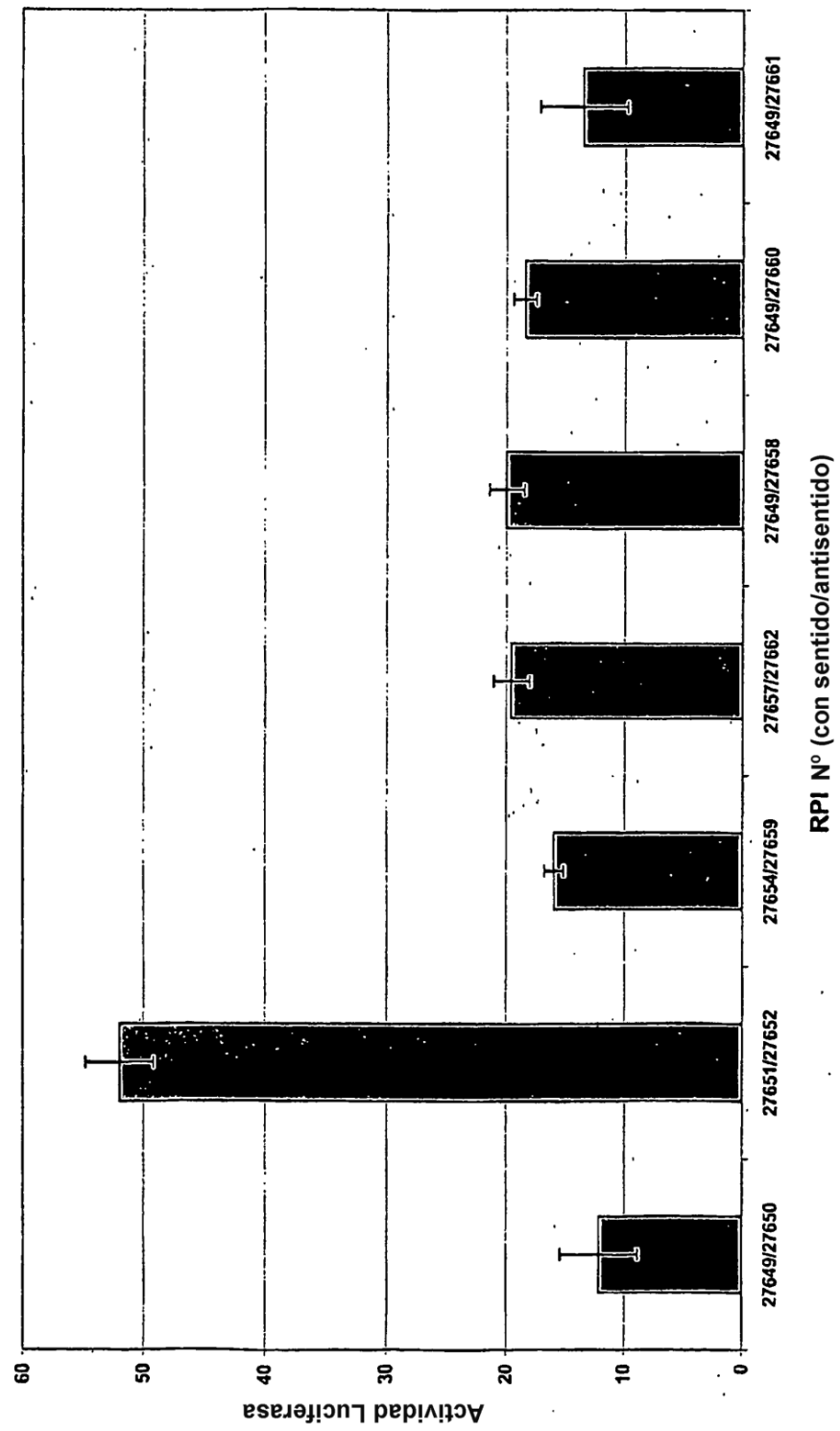


Figura 5

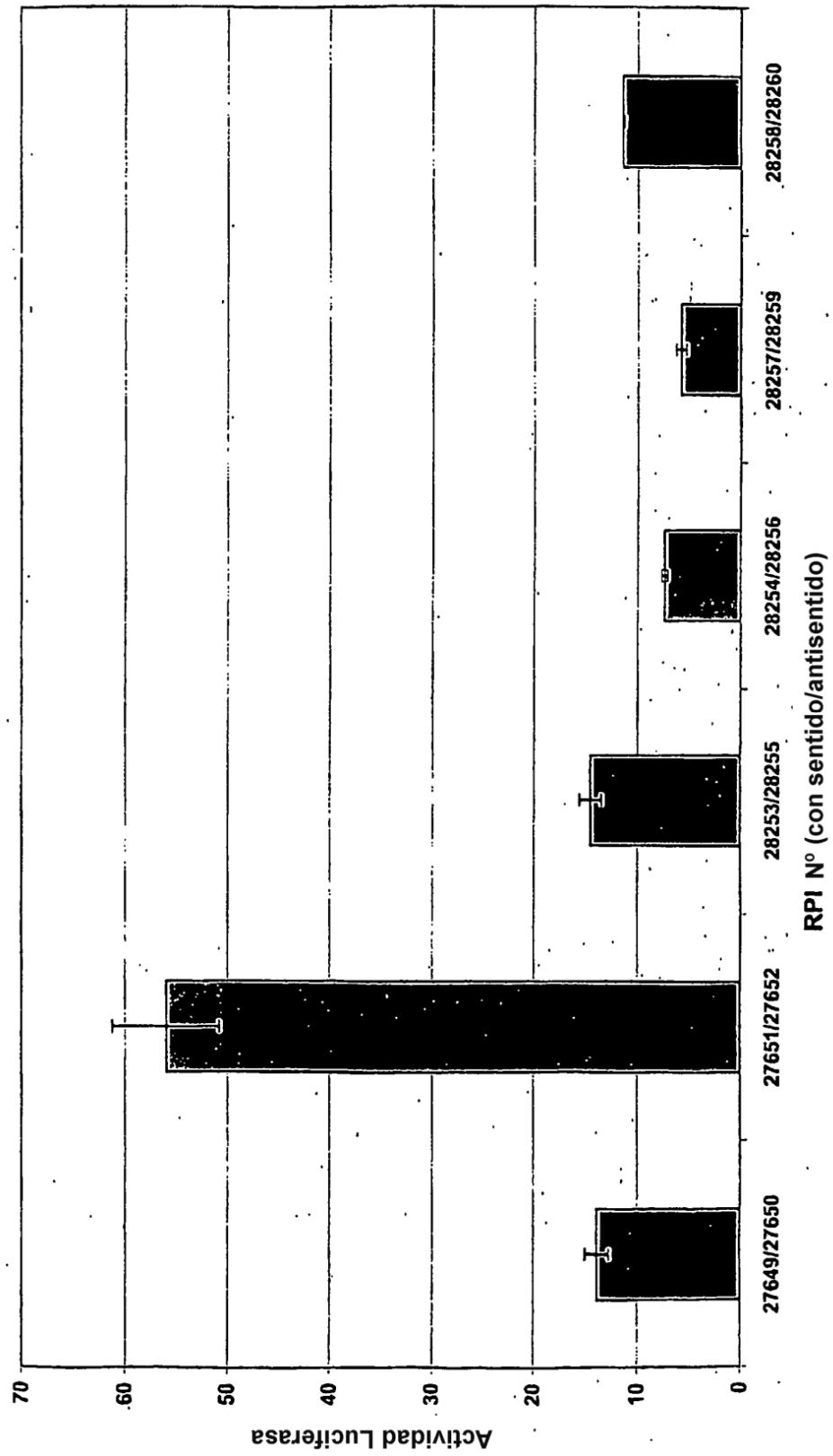


Figura 6

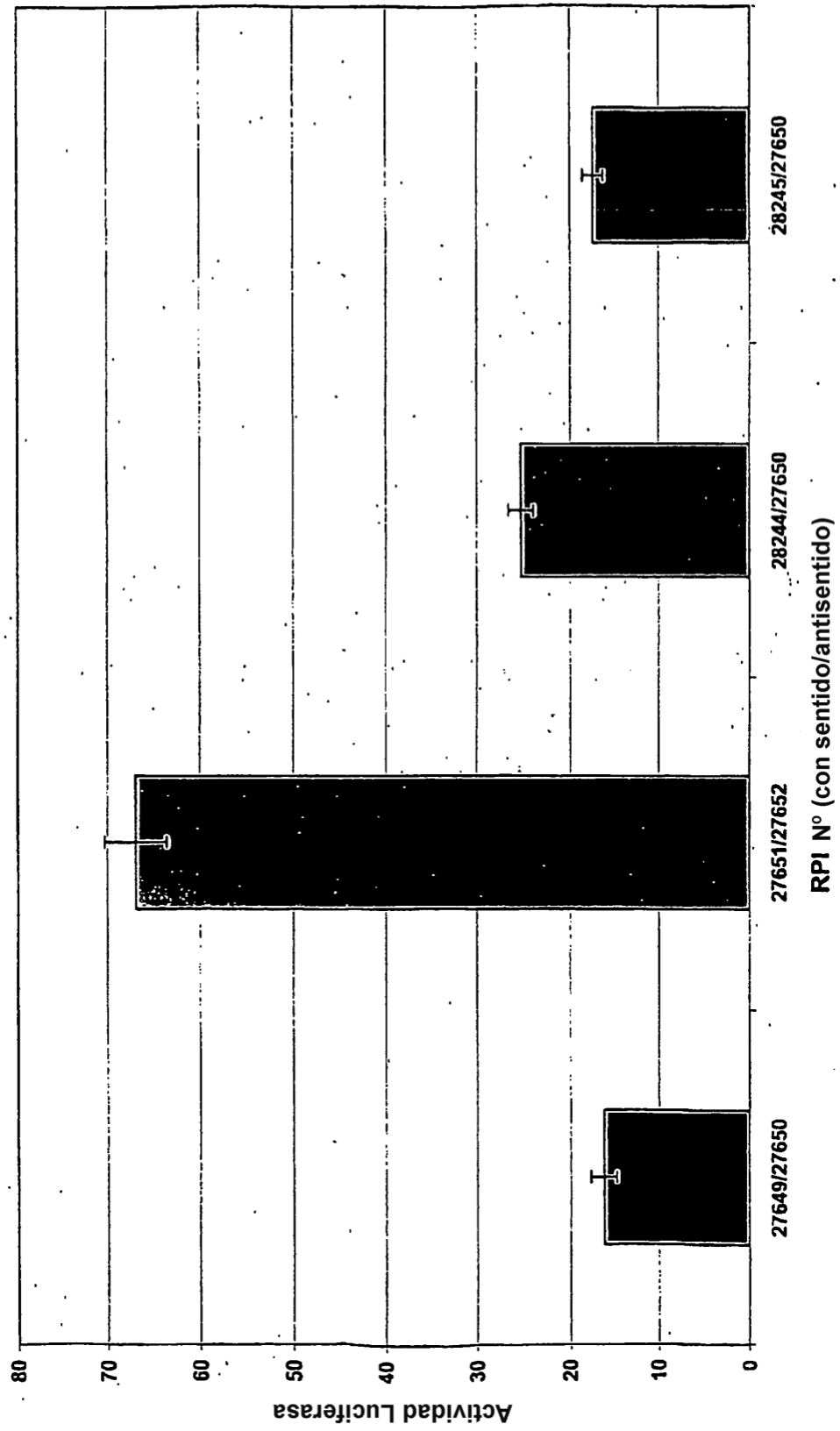


Figura 7

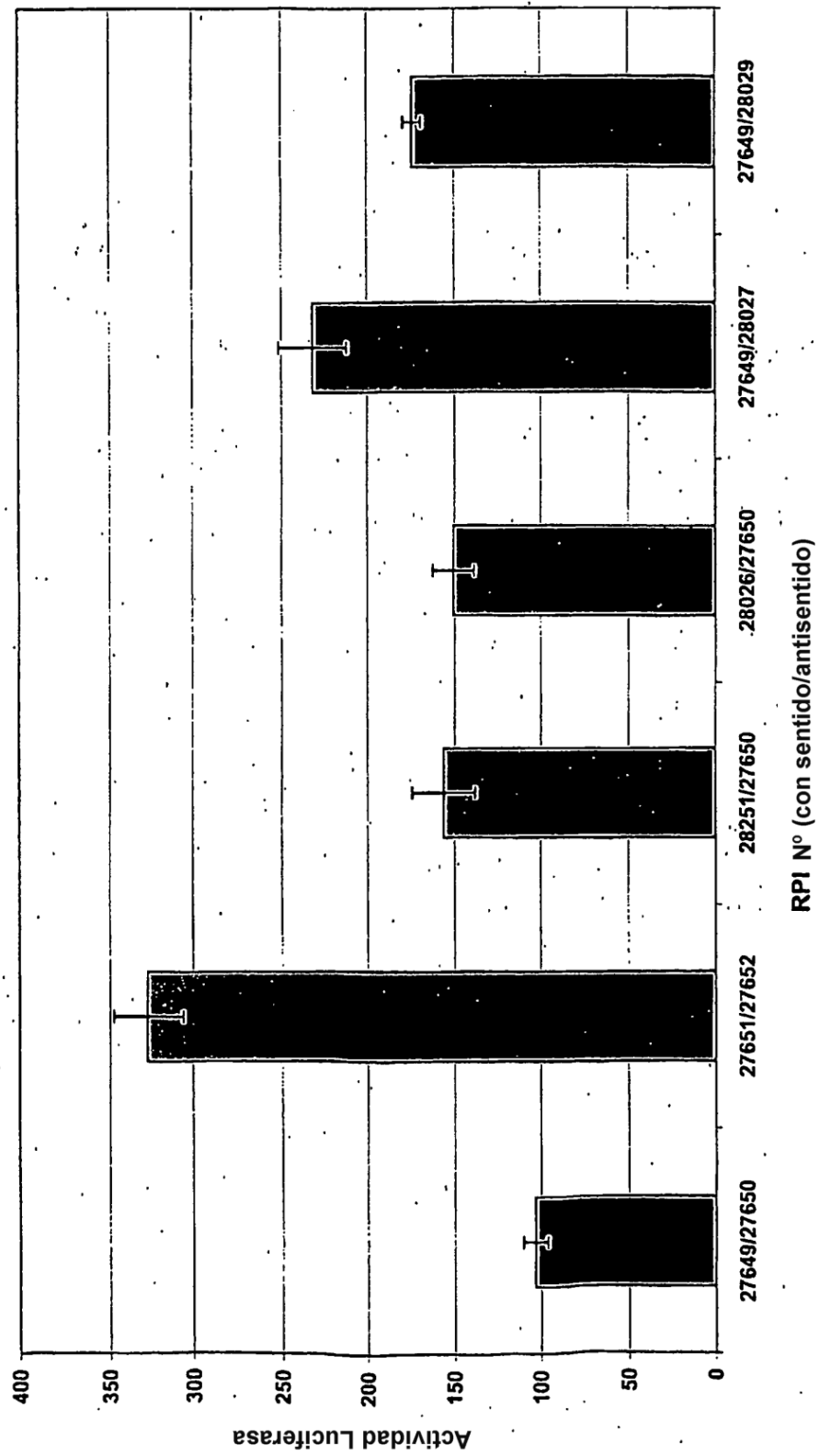


Figura 8

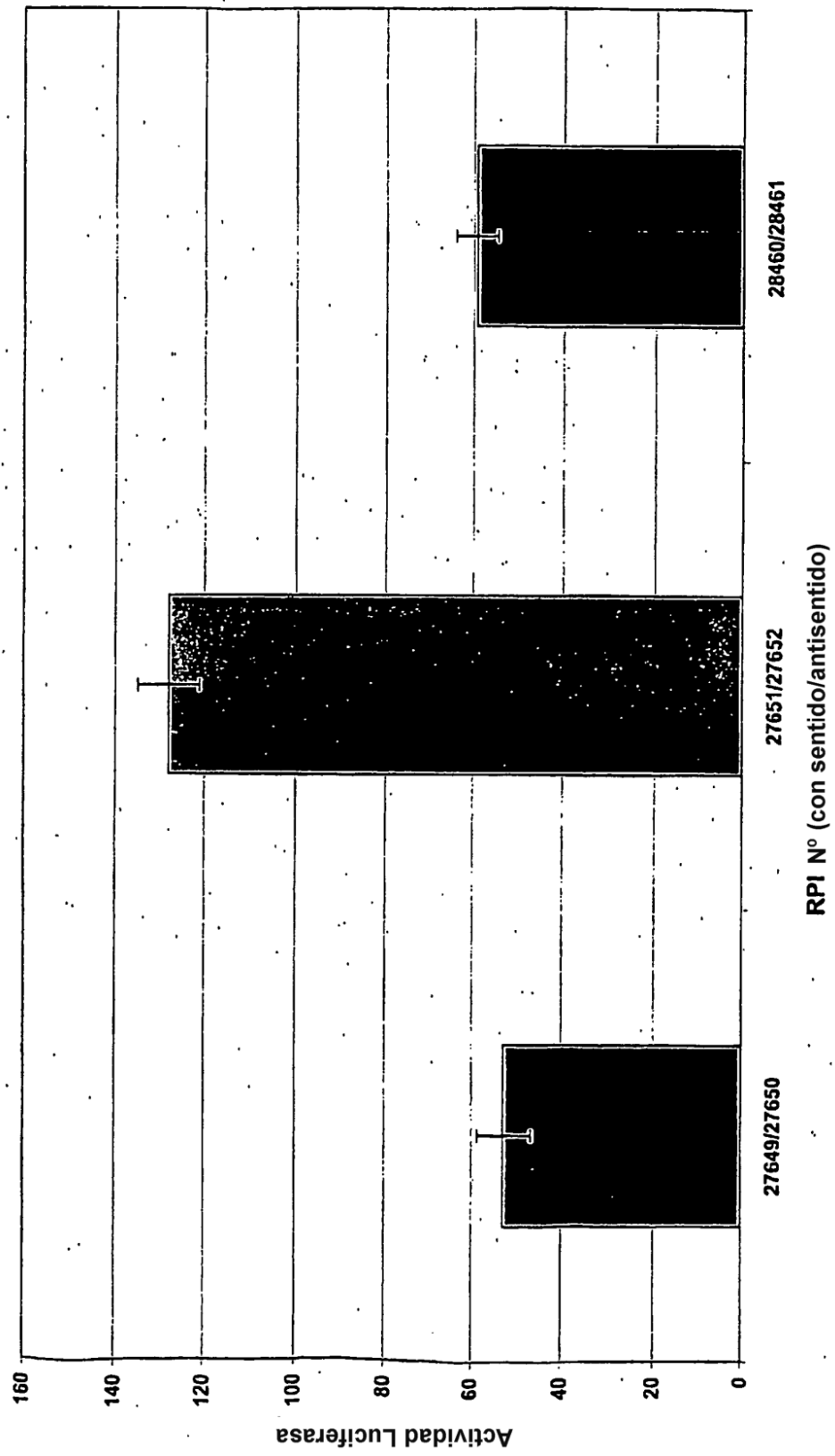


Figura 9

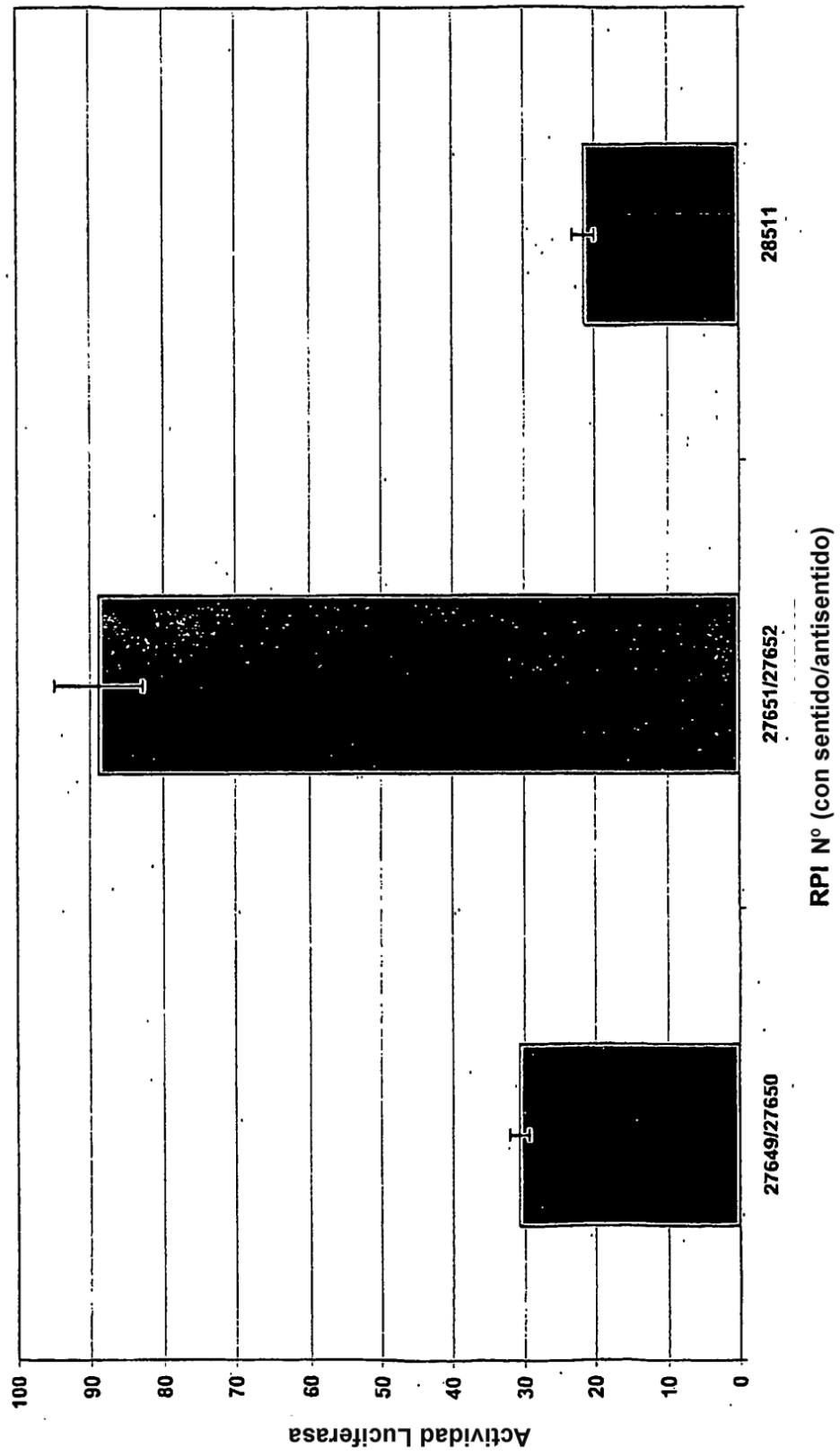


Figura 10

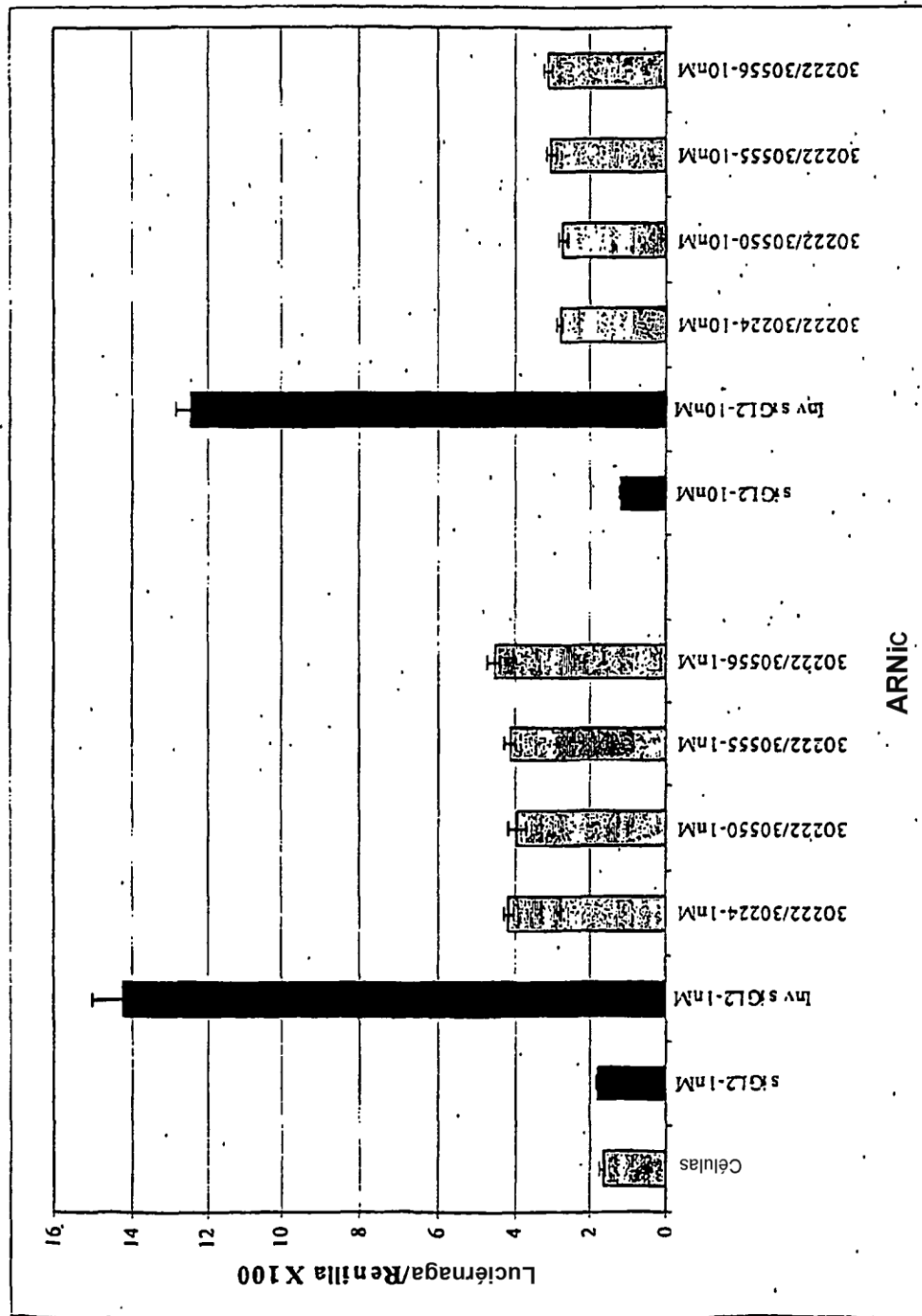


Figura 11

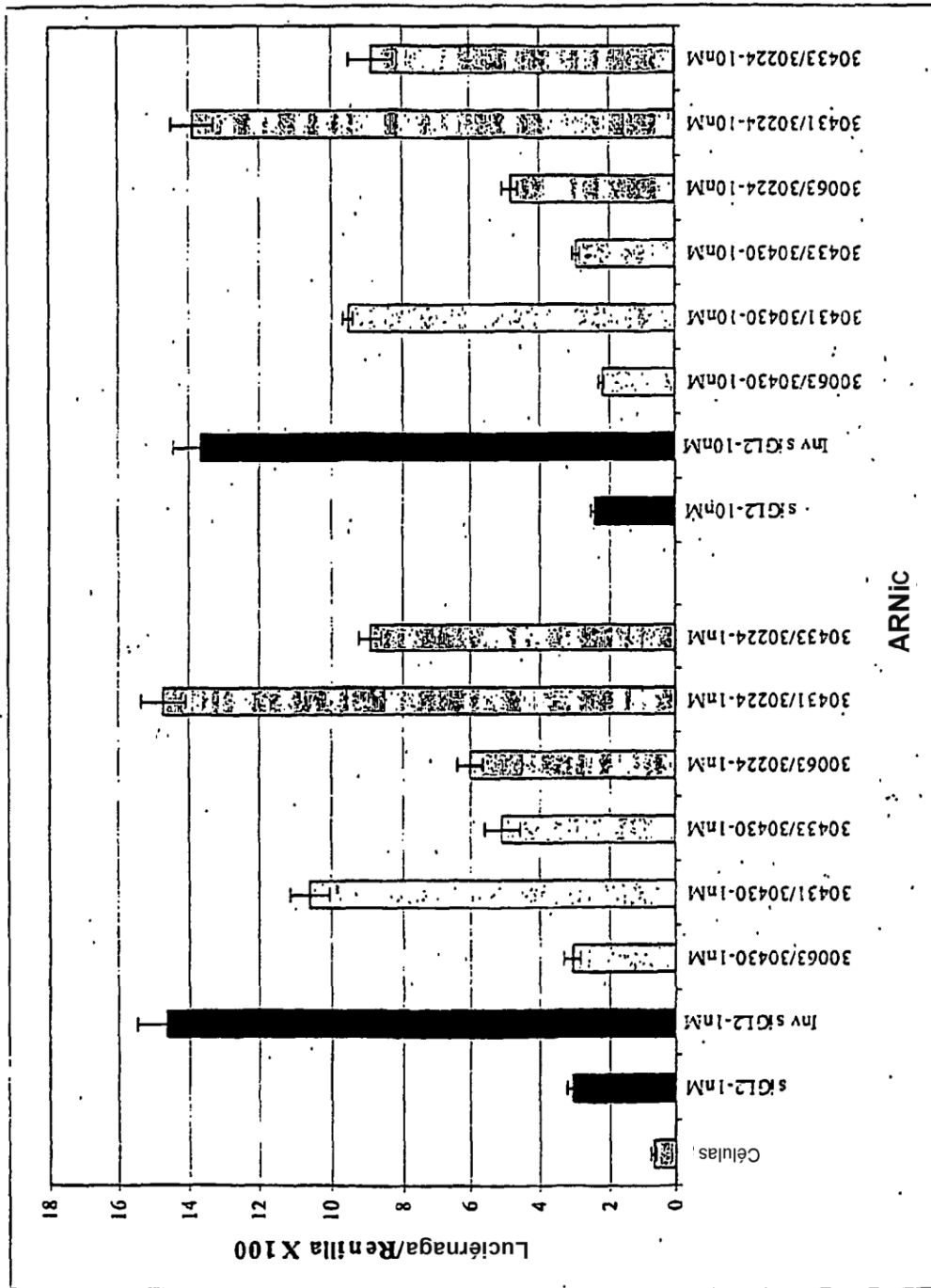


Figura 12

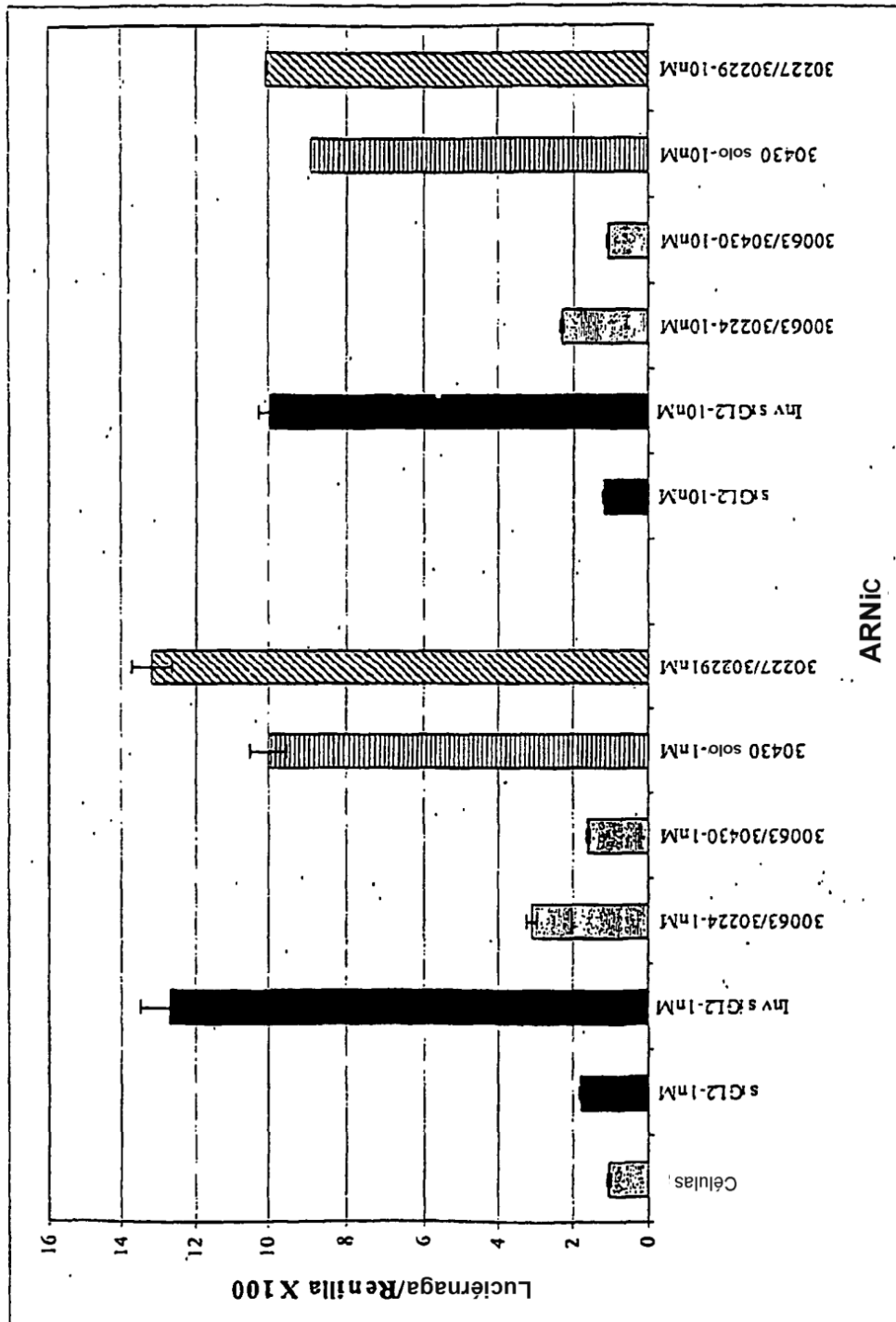


Figura 13

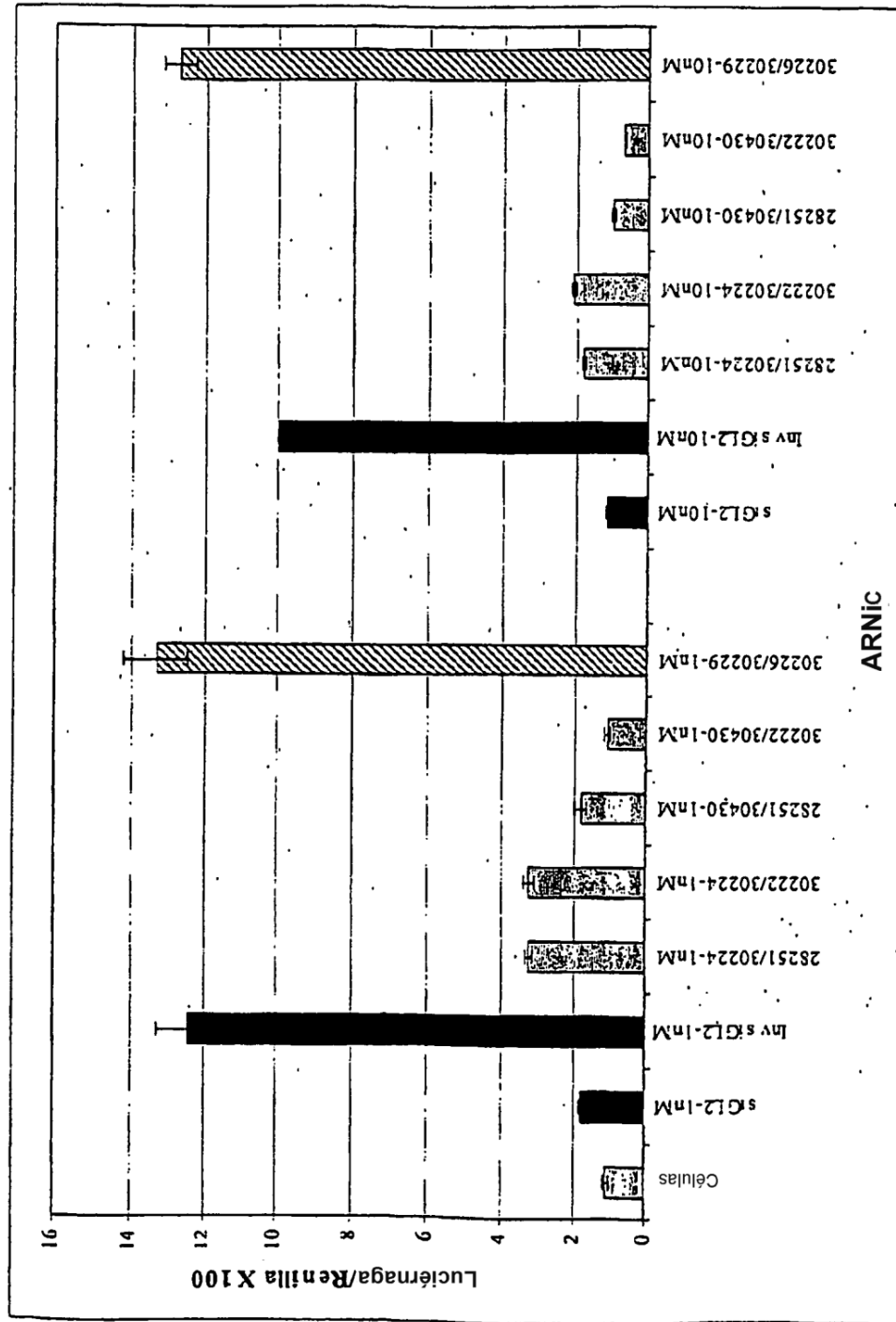


Figura 14

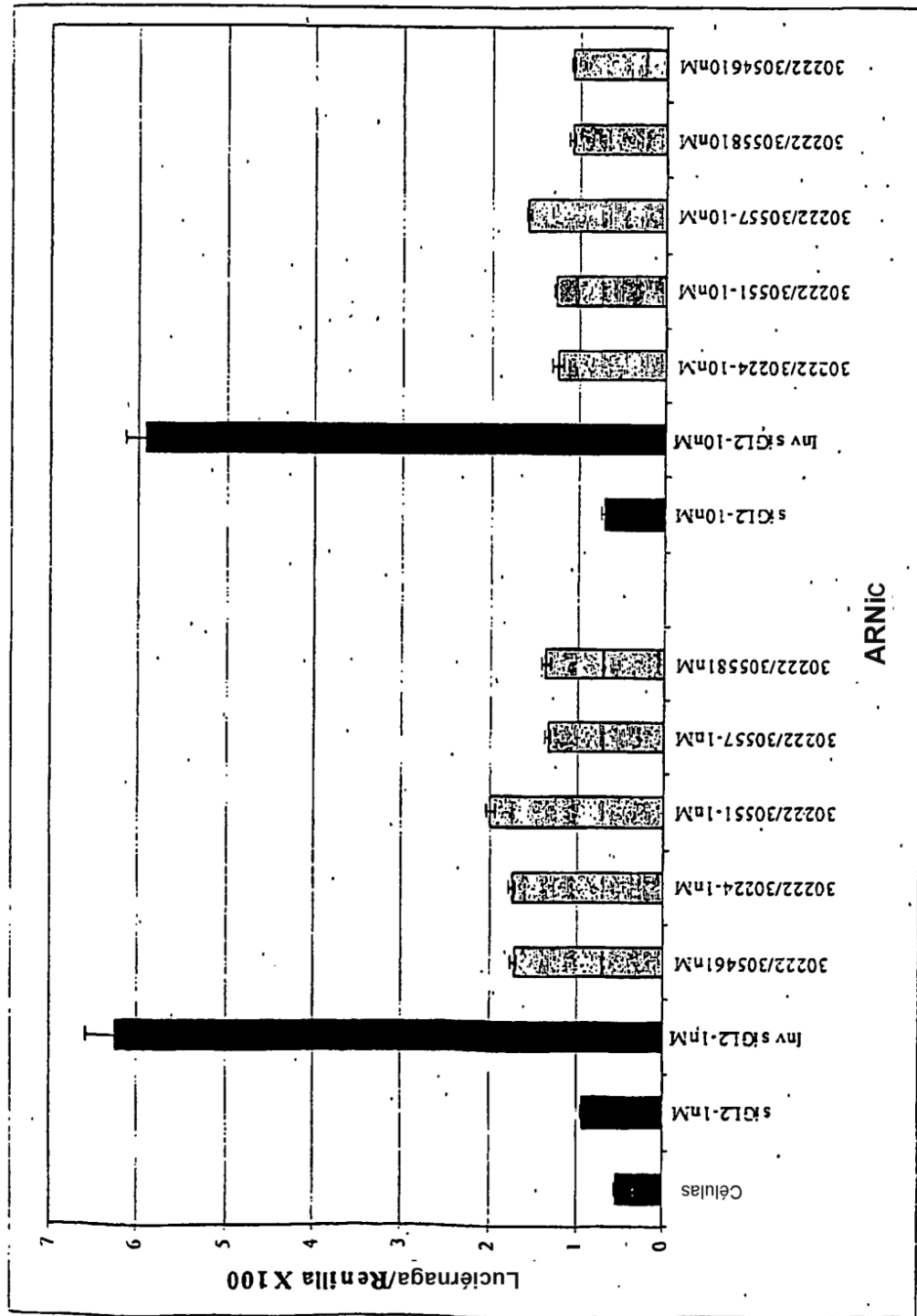


Figura 15

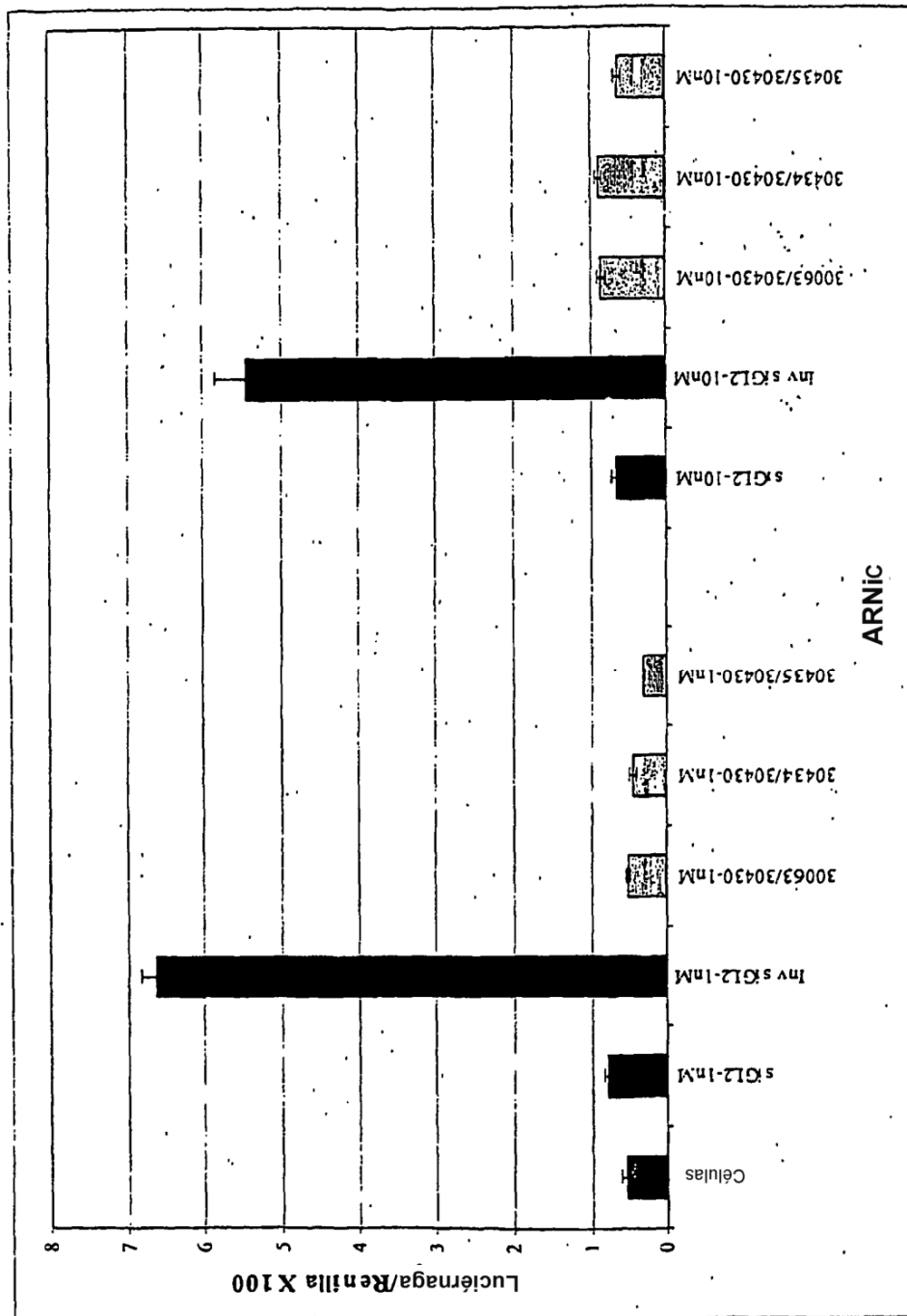


Figura 16

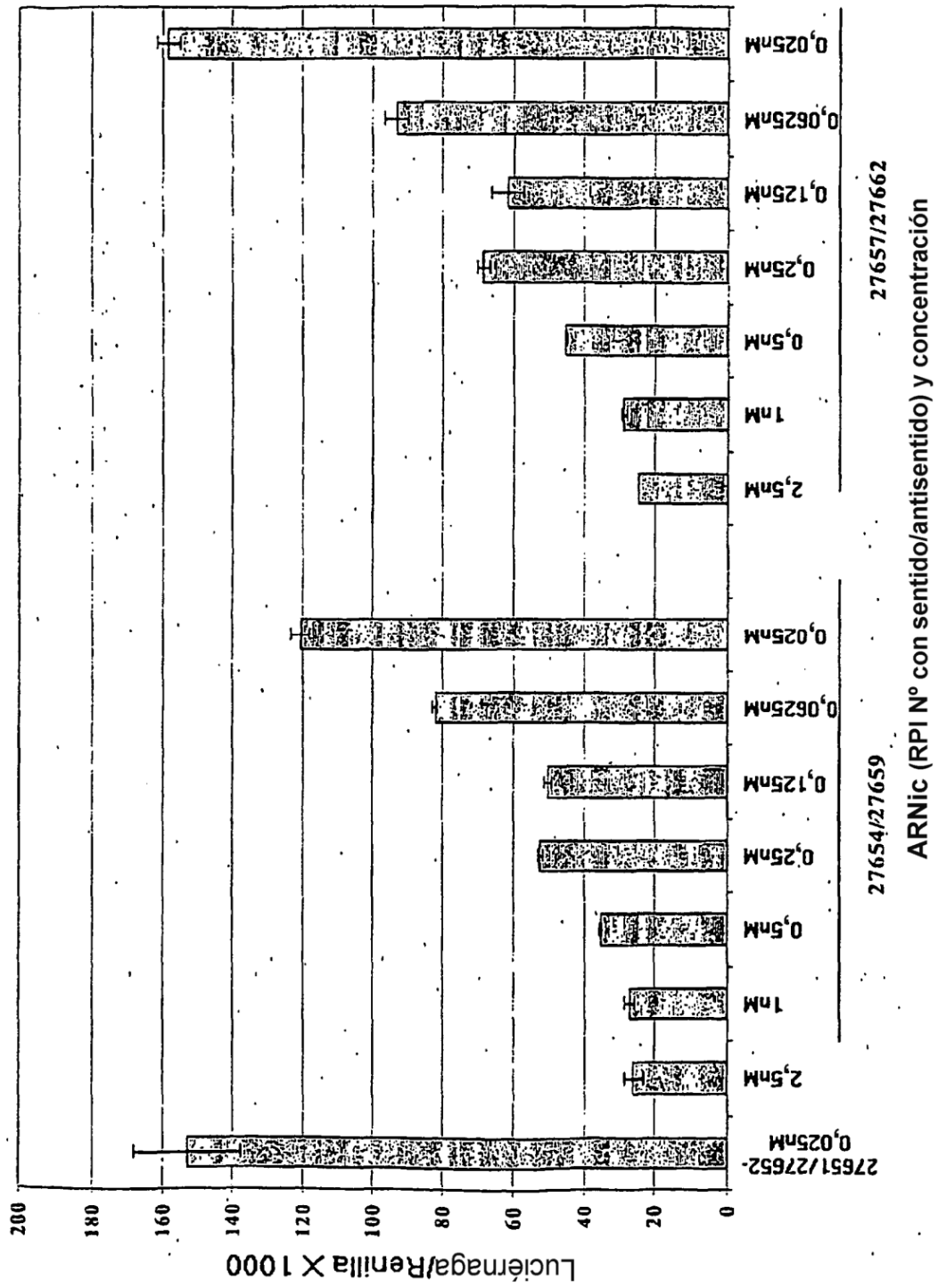


Figura 17

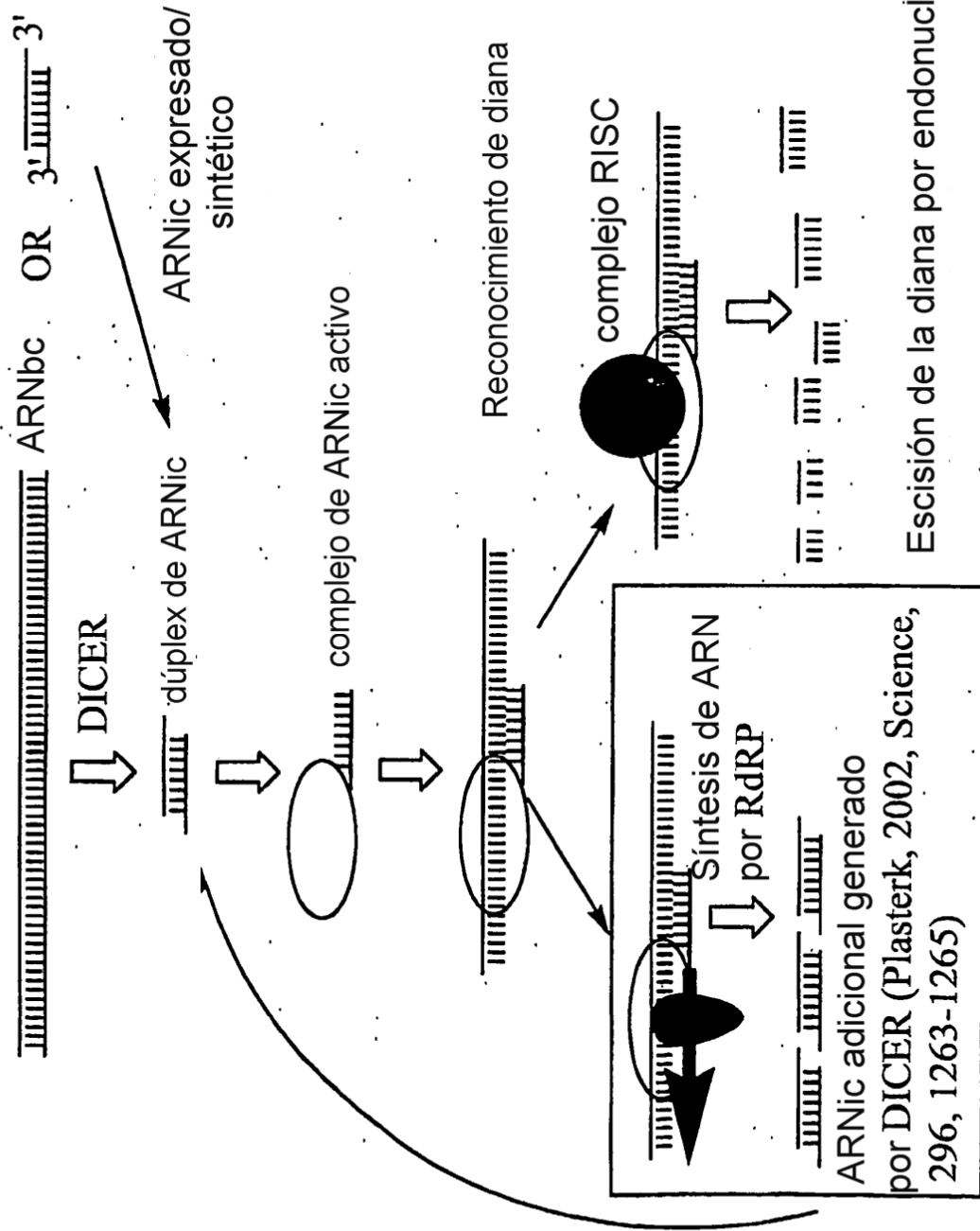
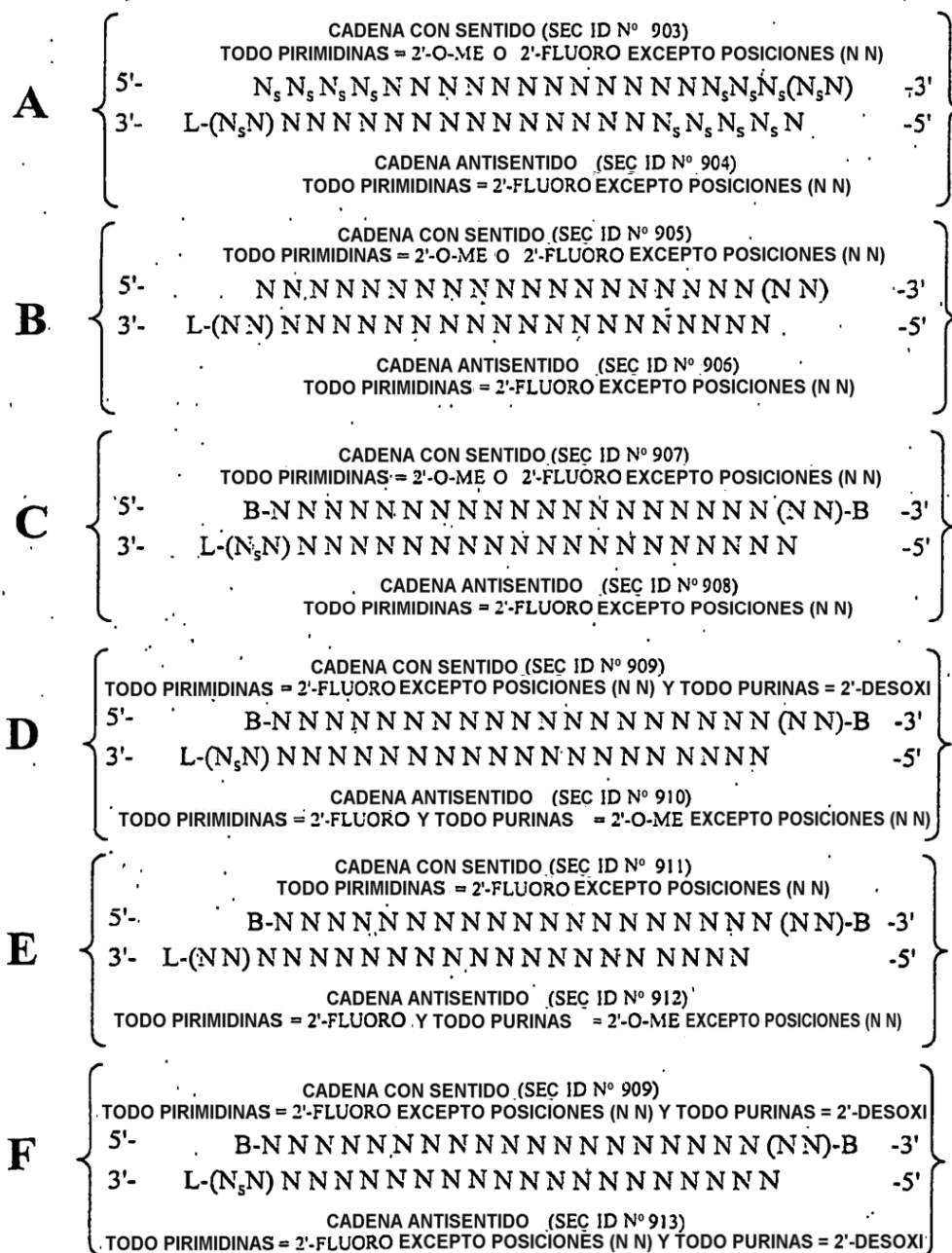


Figura 18

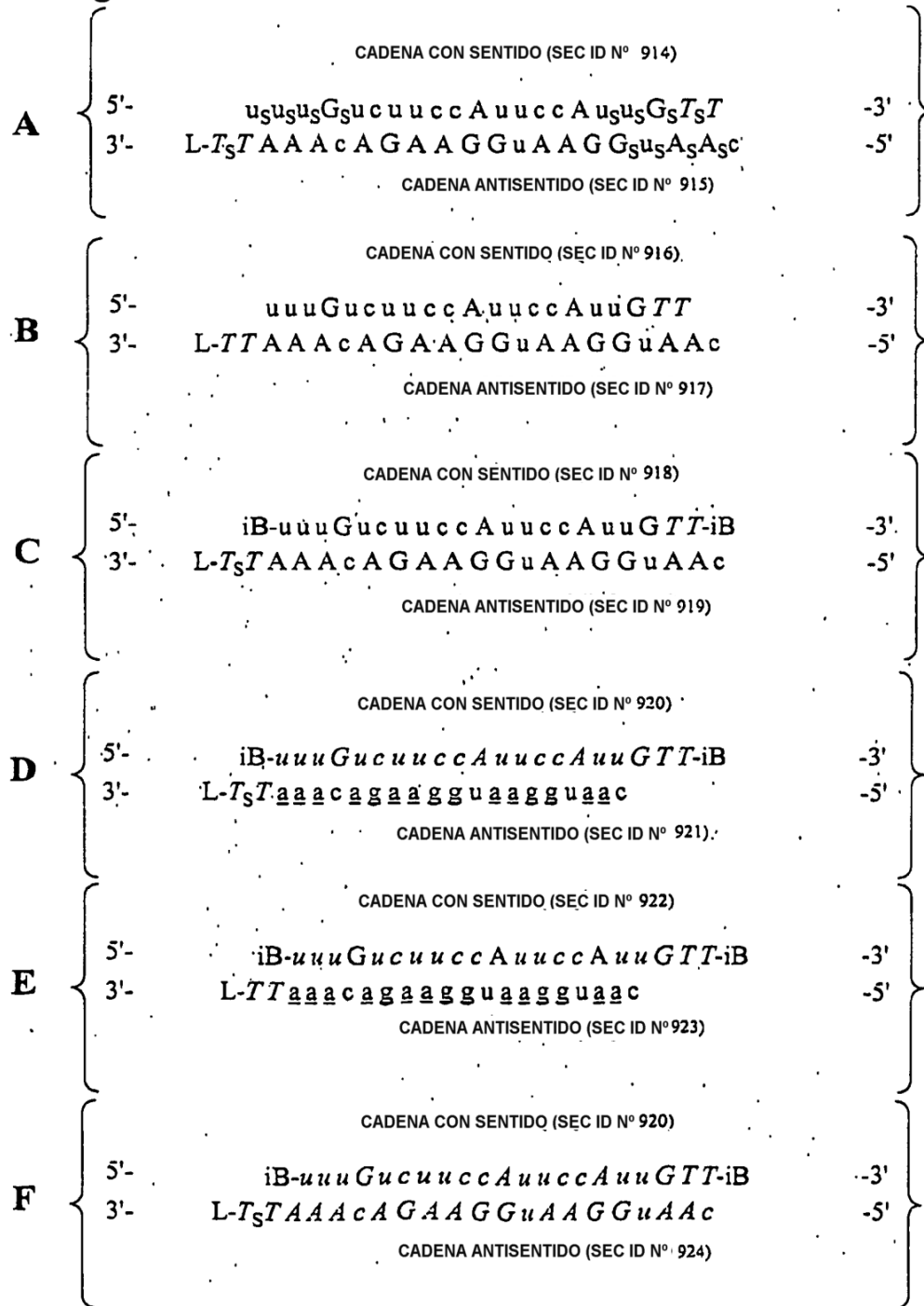
LAS POSICIONES (NN) PUEDEN COMPRENDER CUALQUIER NUCLEÓTIDO, TALES COMO DESOXI NUCLEÓTIDOS (POR EJEMPLO TIMIDINA) O BASES UNIVERSALES

B = NUCLEÓTIDO ABÁSICO, ABÁSICO INVERTIDO, INVERTIDO U OTRA PROTECCIÓN TERMINAL QUE ESTÁ OPCIONALMENTE PRESENTE

L = RESTO GLICERILO QUE ESTÁ OPCIONALMENTE PRESENTE

S = FOSFOROTIOATO O FOSFORODITIOATO

Figura 19



Letra minúscula = 2'-O-Metil o 2'-desoxi-2'-fluoro
 Letra minúscula en cursiva = 2'-desoxi-2'-fluoro
 LETRA MAYÚSCULA EN CURSIVA = DESOXI

B= ABÁSICO DESOXI INVERTIDO
 L = RESTO GLICERILO OPCIONALMENTE PRESENTE
 S = FOSFOROTIOATO O FOSFORODITIOATO

Figura 20

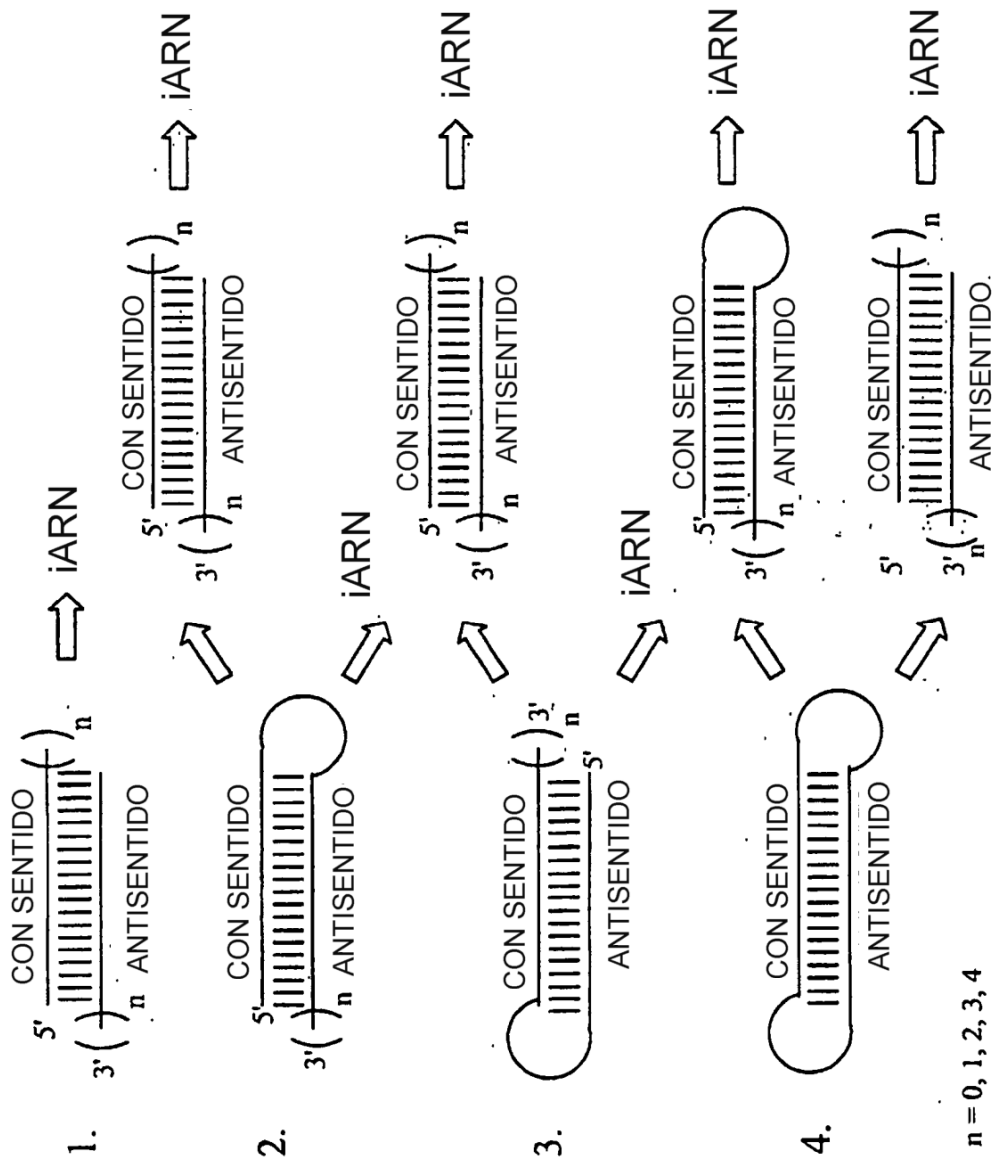


Figura 21: Selección de sitio diana usando ARNic

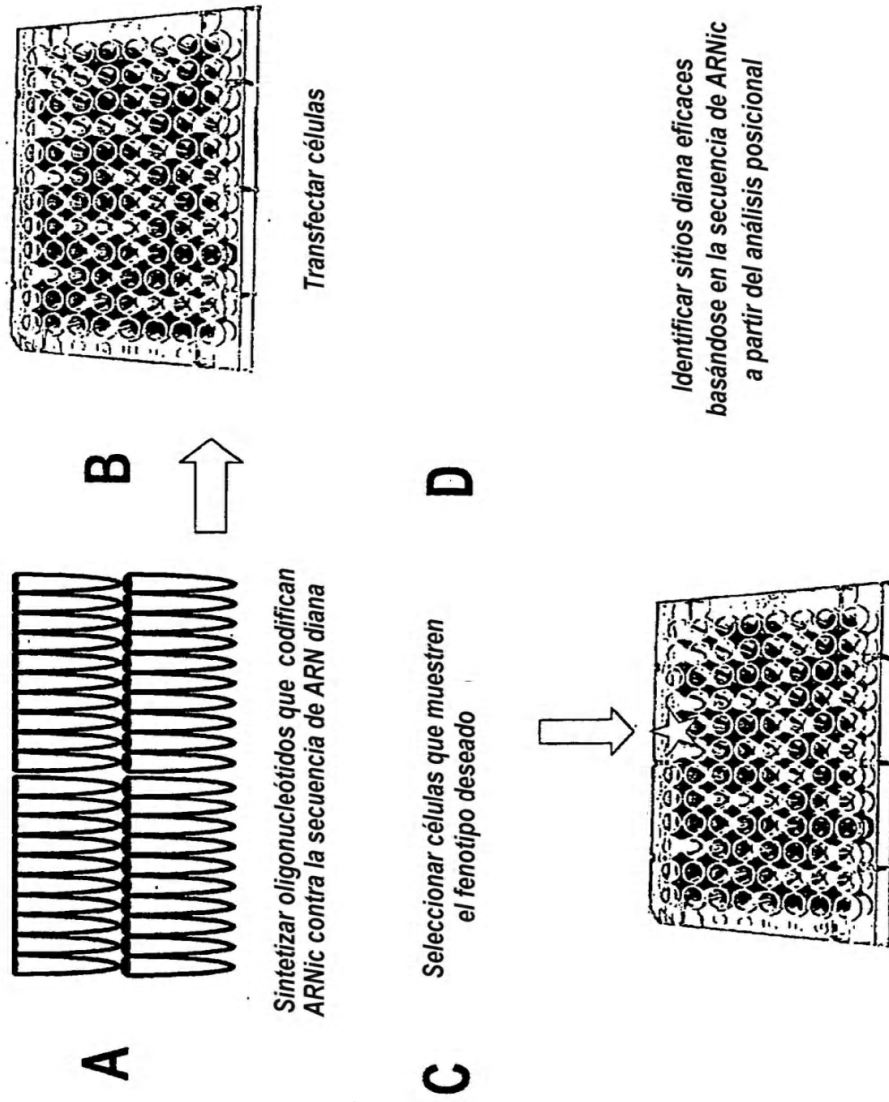
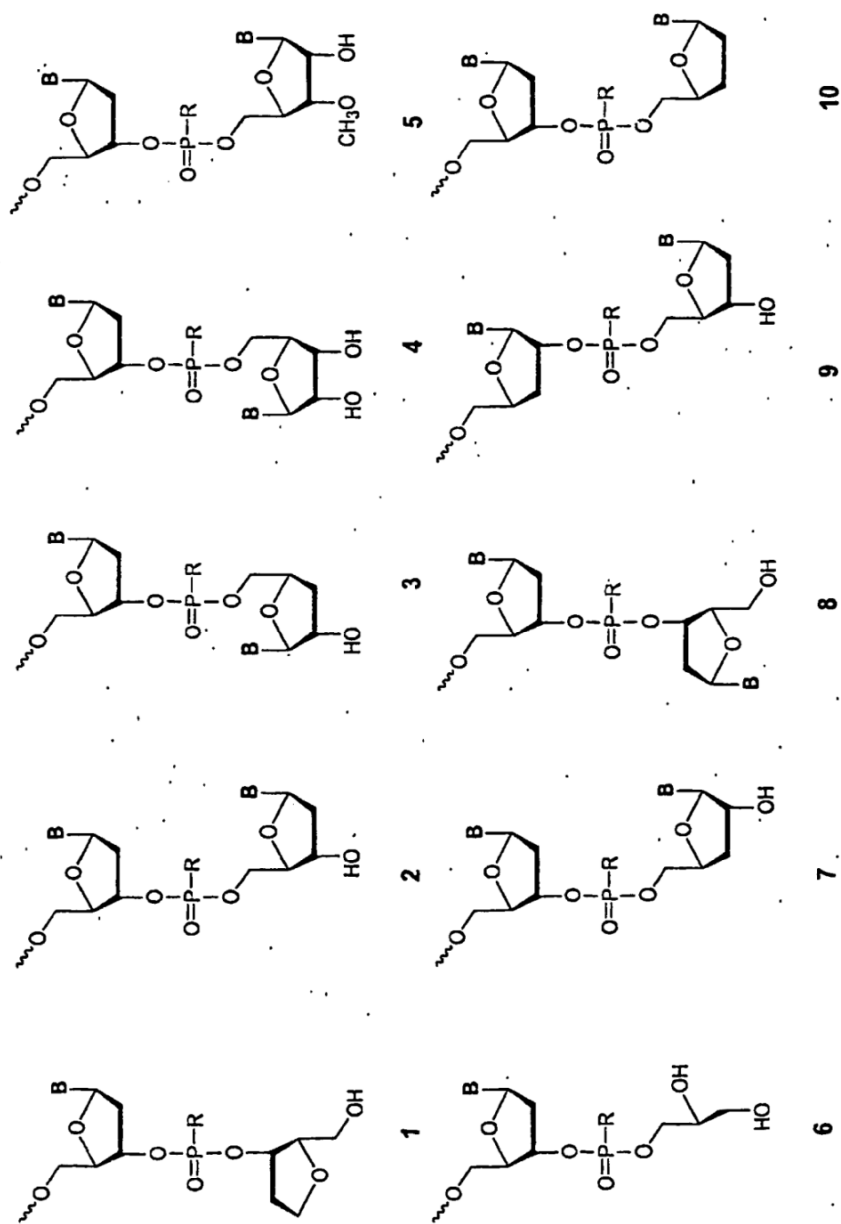


Figura 22



R = O, S, N, alquilo, alquilo sustituido, O-alquilo, S-alquilo, alcarilo o aralquilo

B= Independientemente cualquier base nucleotídica, de origen natural o modificada químicamente, u opcionalmente H (abásico).

Figura 23: Inhibición de la angiogenesis inducida por VEGF por ARN

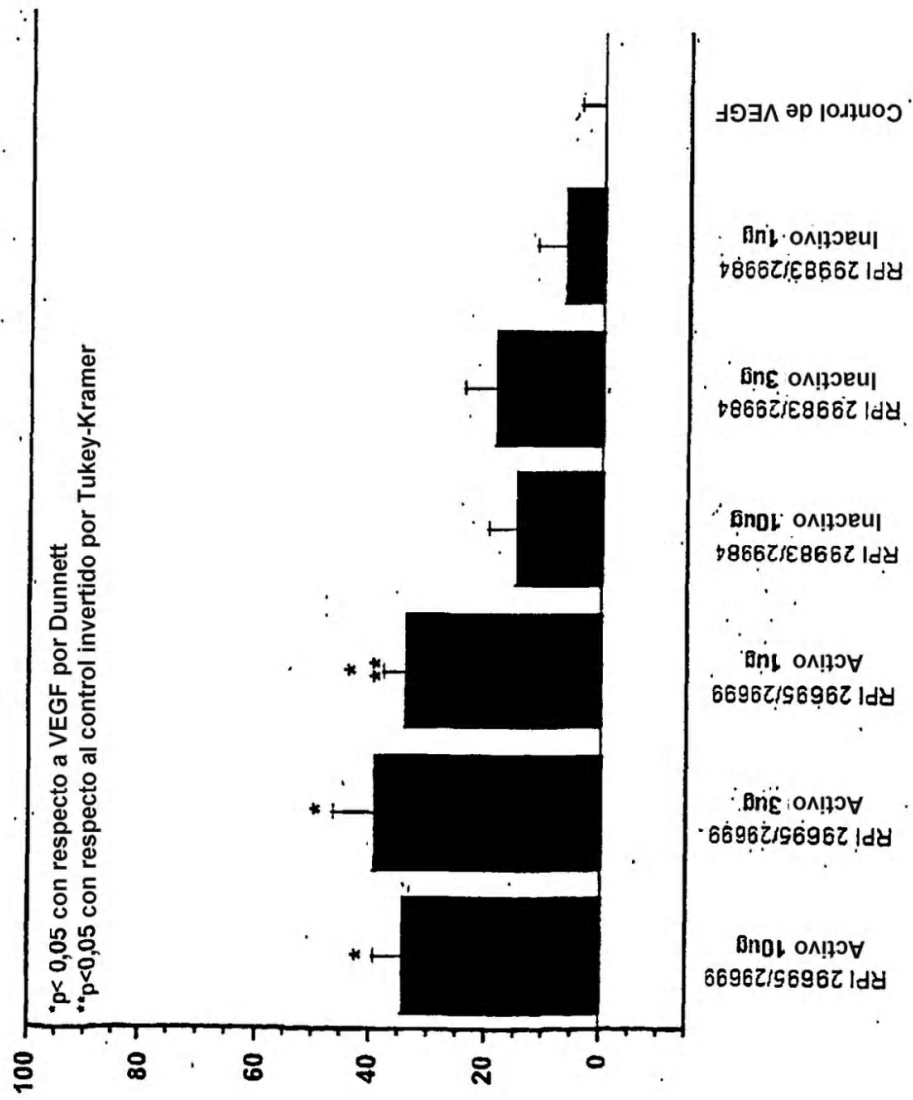


Figura 24: Estrategia de Modificación

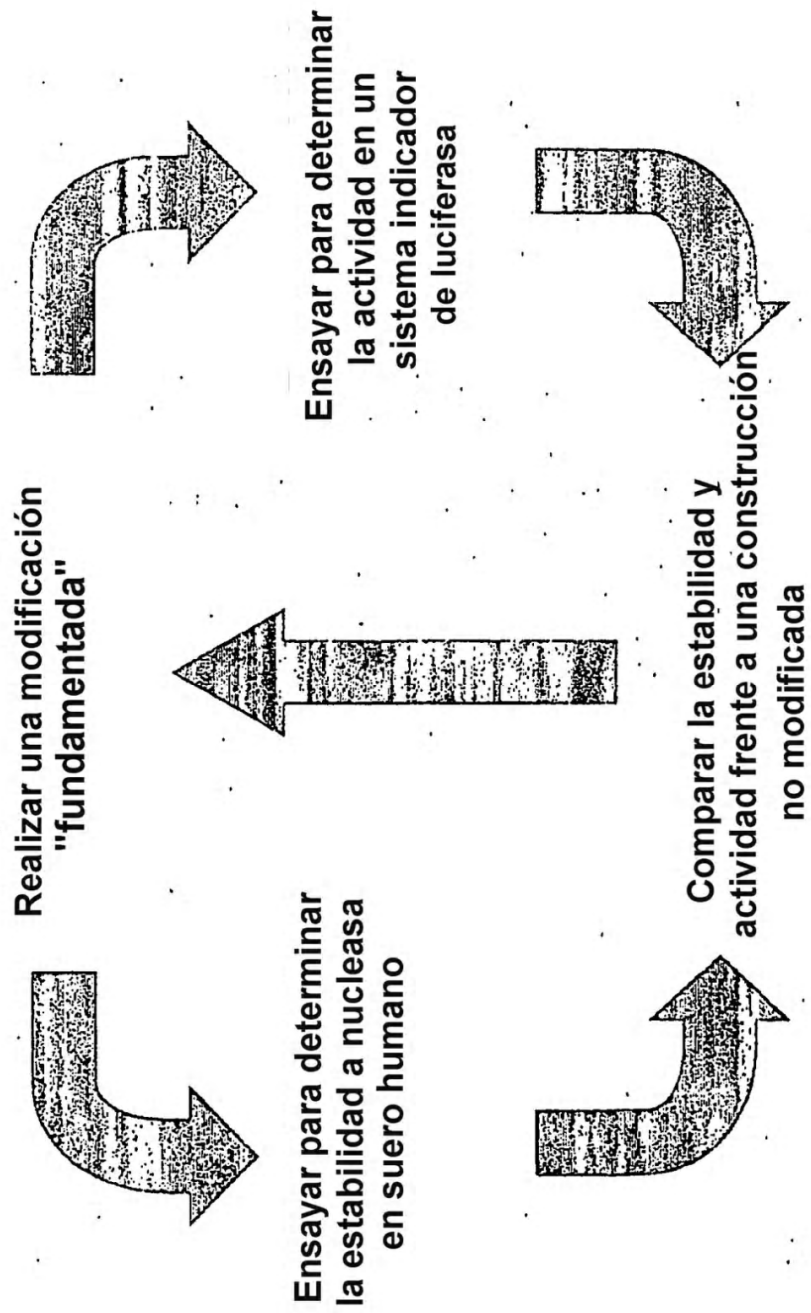


Figura 25: Expresión de ARNm de EGFR (HER1) en A549 a las 24h

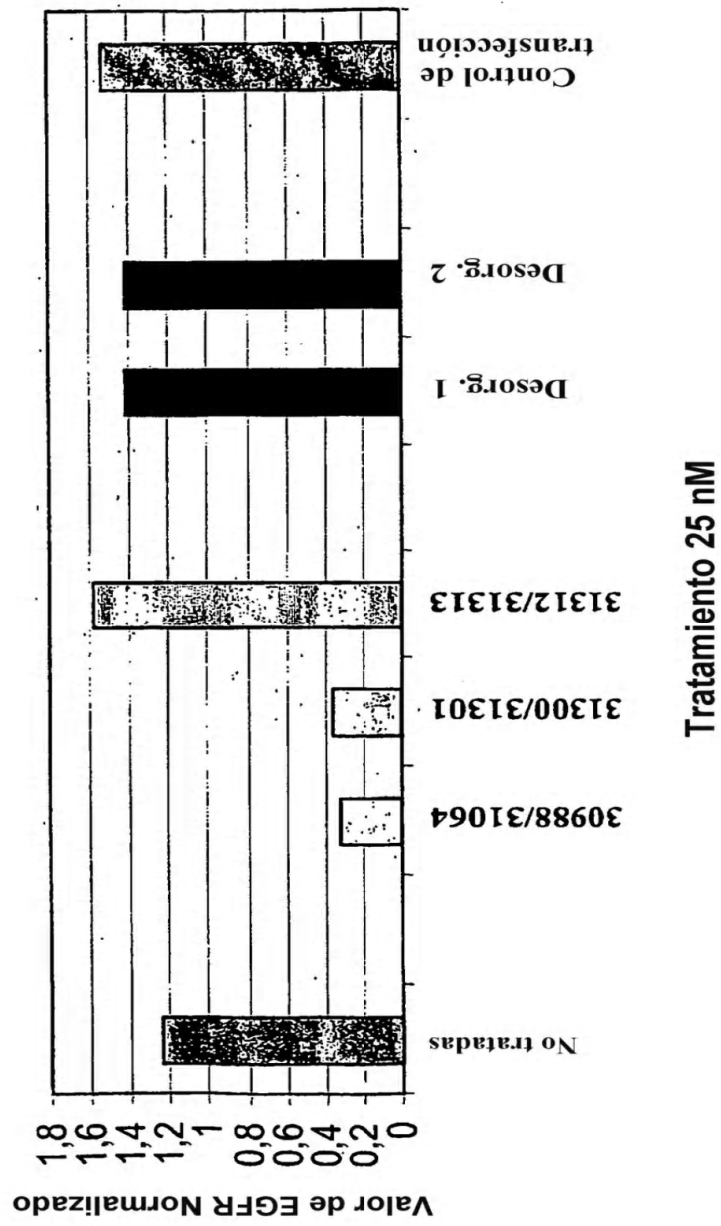


Figura 26: Expresión de ARNm de PKCa en A549 a las 24h



Figura 27: Inhibición de ARN de MYC mediada por ANic

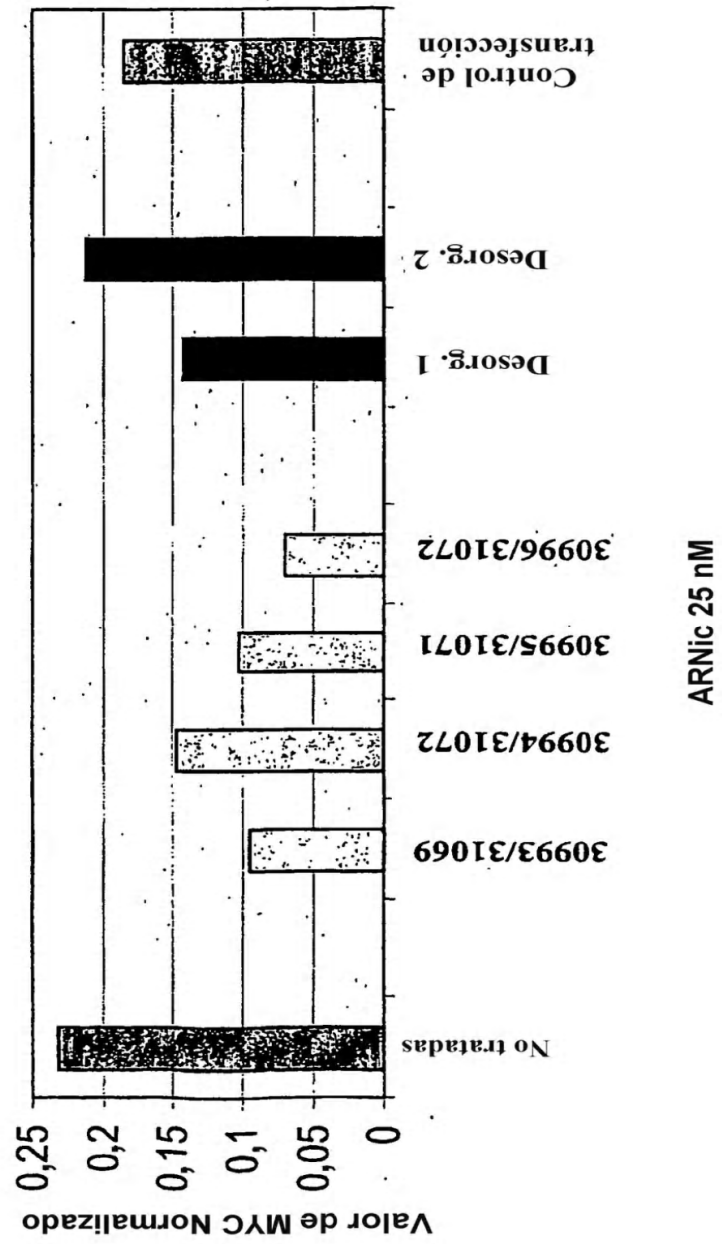


Figura 28: Exploración de la expresión de ARNm de Bcl2 en A549 a las 24 h

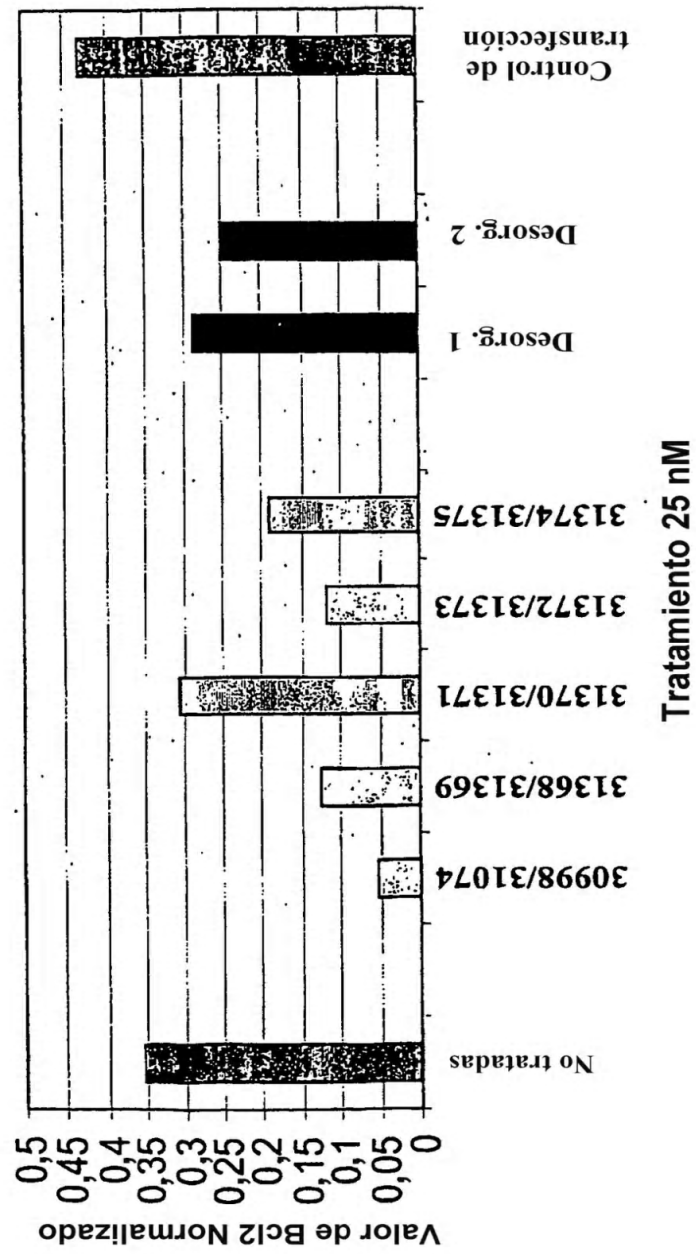


Figura 29: Expresión de ARNm de CHEK1 en A549 a las 24h

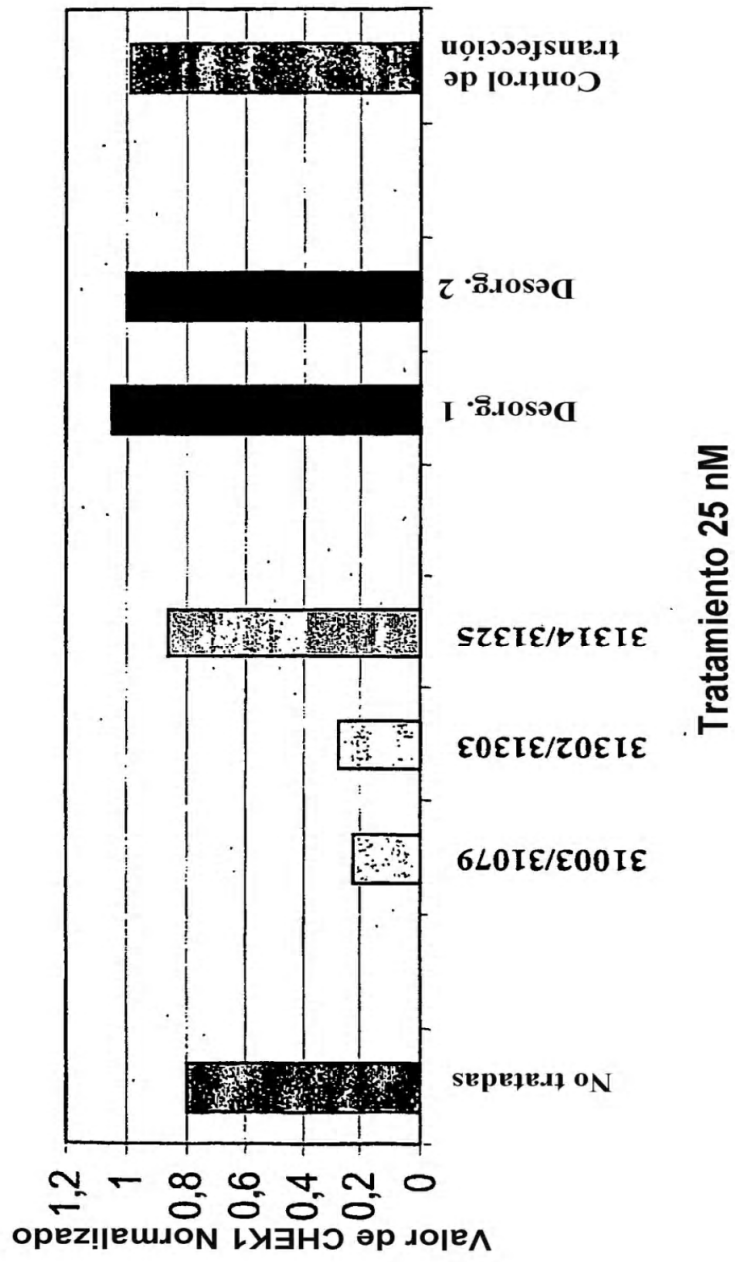


Figura 30: Expresión de ARNm de BACE en A549 a las 24h

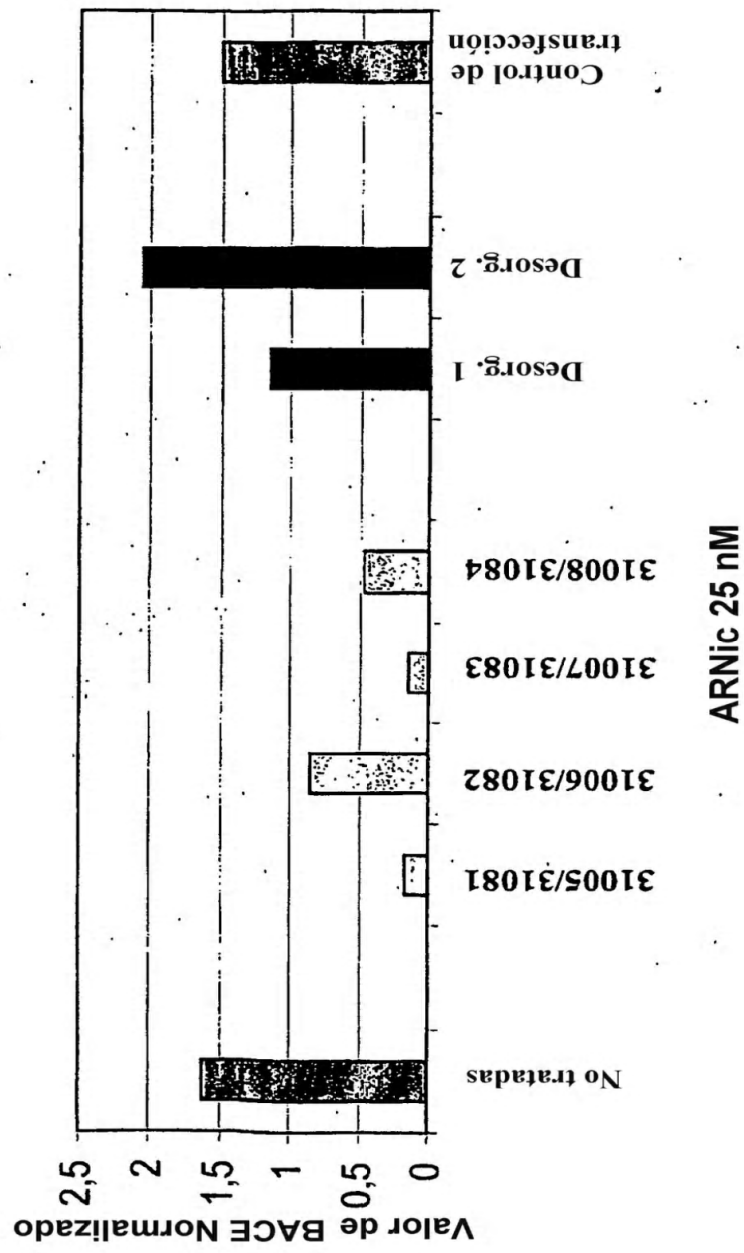


Figura 31: Expresión de ARNm de CCND1 en A549 a las 24h

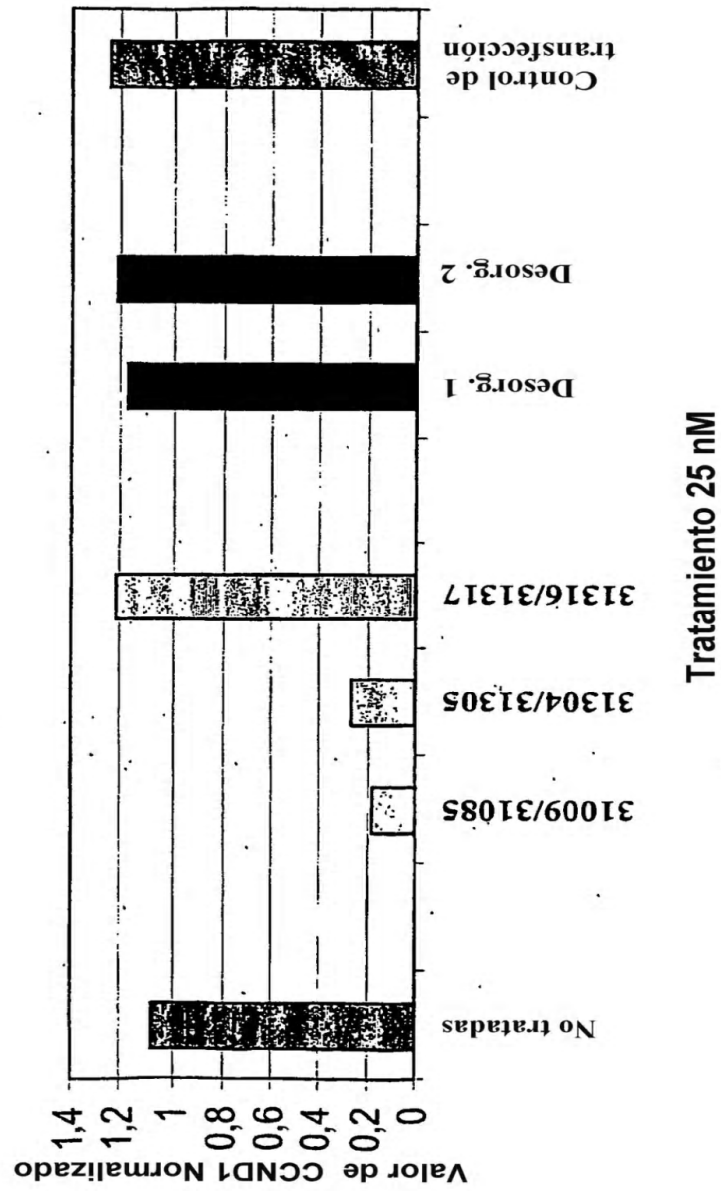


Figura 32: Expresión de ARNm de PTPN1 en A549 a las 24h

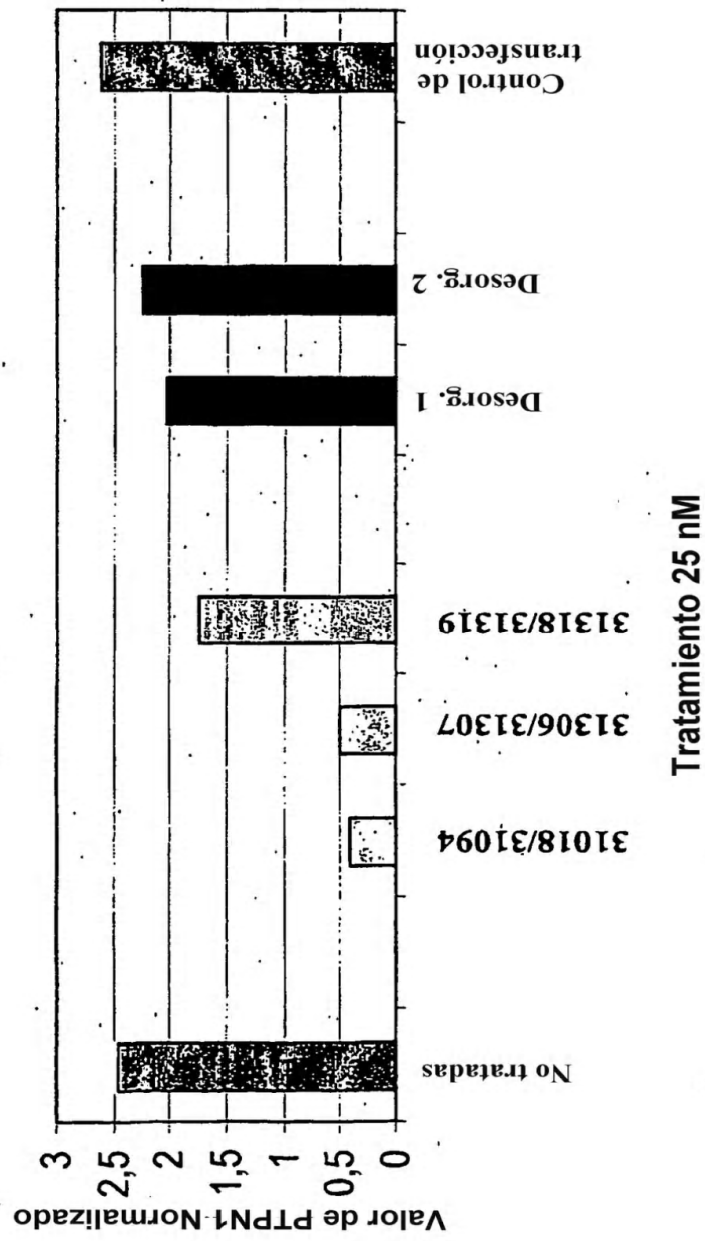


Figura 33: Expresión de ARNm de ERG2 en HeLa a las 24h

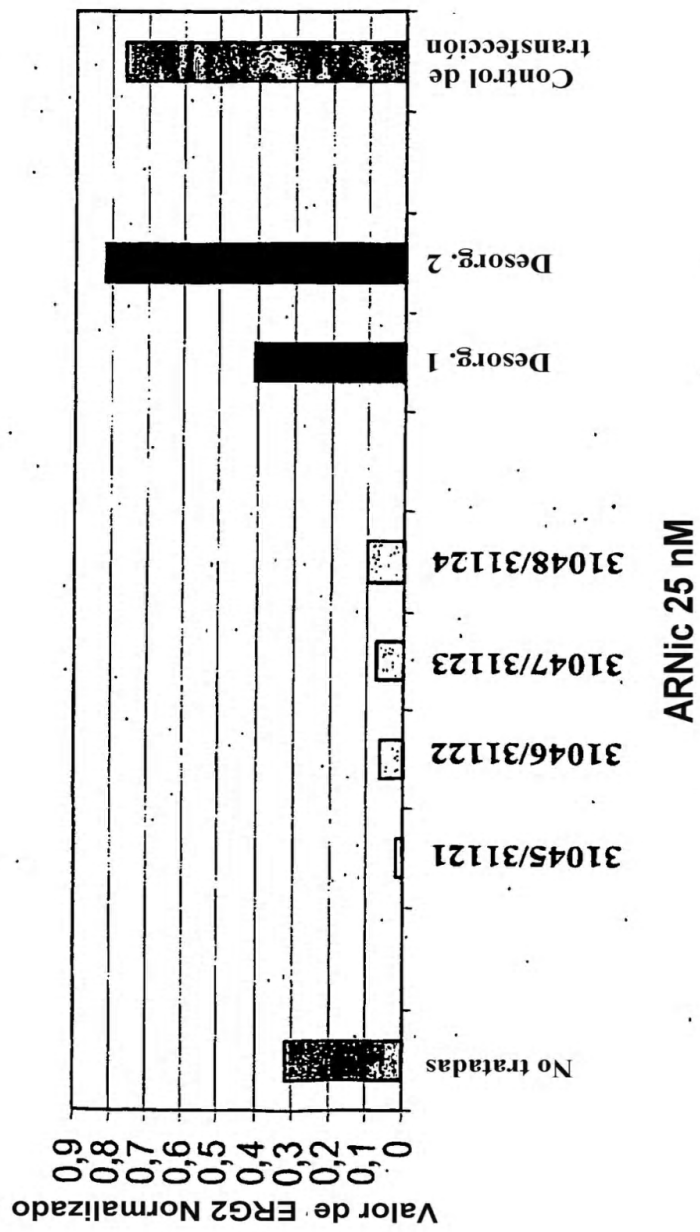


Figura 34: Expresión de ARNm de PCNA en A549 a las 24 h

