

【公報種別】特許法第 17 条の 2 の規定による補正の掲載

【部門区分】第 1 部門第 1 区分

【発行日】平成21年9月10日(2009.9.10)

【公表番号】特表2001-524320(P2001-524320A)

【公表日】平成13年12月4日(2001.12.4)

【出願番号】特願2000-522279(P2000-522279)

【国際特許分類】

C 1 2 N 15/09 (2006.01)

C 0 7 H 23/00 (2006.01)

C 1 2 Q 1/68 (2006.01)

【F I】

C 1 2 N 15/00 Z N A A

C 0 7 H 23/00

C 1 2 Q 1/68 Z

【誤訳訂正書】

【提出日】平成21年7月22日(2009.7.22)

【誤訳訂正 1】

【訂正対象書類名】明細書

【訂正対象項目名】特許請求の範囲

【訂正方法】変更

【訂正の内容】

【特許請求の範囲】

【請求項 1】 血管に対する核酸リガンドであって、配列番号 2 4 2 ~ 2 5 8 に示されるヌクレオチド配列から成る群から選択される RNA リガンドであることを特徴するリガンド。

【請求項 2】 前記リガンドが更に標識を含む、請求項 1 記載の核酸リガンド。

【請求項 3】 前記リガンドが更に錯化剤を含む、請求項 1 記載の核酸リガンド。

【請求項 4】 前記錯化剤が標識を含む、請求項 3 記載の核酸リガンド。

【請求項 5】 前記標識が 99m-Tc である、請求項 4 記載の核酸リガンド。

【誤訳訂正 2】

【訂正対象書類名】明細書

【訂正対象項目名】0 1 2 9

【訂正方法】変更

【訂正の内容】

【0 1 2 9】

両方の配列ファミリーからの代表的なクローンは、組織学的オートラジオグラフィーによって、結合に関してクローン12.2と特異的に競合することができた。放射能標識したクローン12.2は、30倍のモル過剰の非標識クローンによる完全な競合を伴う用量依存的な方法において、非標識のクローン12.2（配列番号：242）、12.13（配列番号：246）、12.15（配列番号：248）及び12.37（配列番号：250）によって、新鮮な凍結切片から競合脱離（compete off）された。しかしながら、300 倍のモル過剰のクローン12.2のスクラブル配列型の添加によるシグナルの減少は存在しなかった。識別できる配列類似性を有さない2 種の配列ファミリーが、標的結合に関して互いに競合できることがわかった点は興味深い。

【誤訳訂正 3】

【訂正対象書類名】明細書

【訂正対象項目名】0 1 7 7

【訂正方法】変更

【訂正の内容】
 【0177】
 【表16】

表10

ランダム領域の配列

配列番号:

クローン	コピー		配列番号:
12.2	8	GCGGGAUUUCCUGAUCAUCCCAUGAUUCGGGGCCUUAC	242
12.10	8	GGAGCGAUUAUUCUGAAACAUCACUGAUUCGGAGCGUCCU	243
12.11	4	CGCUGACUUGUUUAUUCCAUCUGGUUCGGAGUCUUGCUGU	244
12.18	1	ACCGUCUUCUUAACAUCCAUGAUUUGGAGUCUCGUGUA	245
12.13	4	CACUGAAGCAAAGUUACCUUUCUCAGAUGU UUAGCGCCUA	246
12.8	3	CGGAGGAAGGAAGGAAACUUCGCCUCUGAU UUAGC UUA	247
12.15	3	CGAAGGACGCGAUGCAAUCGGCCUUUGAAU UUAGCGUUA	248
12.9	2	CUGAAGGAUGCAGCCAGGCCGCCCUUCUAGU UUAGC UUA	249
12.37	2	CUAAGAACGAAGCCACCGUUUCGCCUUAAGUAUUAGCC UUA	250
12.42	2	CUUUAUUUGUCGAGGAGCCAAACUAAAGUAUUAGCU UUA	251
12.17	1	CAACGGUAGCGGCCAGAAACGCGCCGACUGAU UUAGGC UUA	252
12.23	1	UGCGAAGUACAAGACAAACUUGUUUCGACAU UUAGCA UUG	253
12.5	1	CGCCGUCACGAGGAUGACCUACGCGGAAGGU UUAACG AUA	254
12.12	1	CGCAGAUAAACGGUCUUUCCGUGUCUGAUGU UUAACGAAGA	255
12.36	1	CGCGGAACAUAAGAGGAUUGGGUCGGCGAU UUAACGUUCA	256
12.46	1	CACUAGAUGGGAGAUCCUCAGGCUAGGUGU UUAGG UUCA	257
12.31	1	AUCCAGAUUGGAAGCAAUCCUGCUGGAUUUAUUAGCC UUA	258

5'-gggagauaagaauaacgcucuaa-[40N]-uucgacaggaggcucacacagggc-3'

40