



(12) 发明专利申请

(10) 申请公布号 CN 105085682 A

(43) 申请公布日 2015. 11. 25

(21) 申请号 201510511513. 3

A61P 9/10(2006. 01)

(22) 申请日 2007. 10. 31

(30) 优先权数据

60/856, 505 2006. 11. 02 US

(62) 分案原申请数据

200780048936. X 2007. 10. 31

(71) 申请人 健泰科生物技术公司

地址 美国加利福尼亚州

(72) 发明人 赫伦·吴 桑贾耶·辛格 S·C·冯

安玲玲 亨利·B·洛曼

罗伯特·F·凯莱

(74) 专利代理机构 北京安信方达知识产权代理

有限公司 11262

代理人 郑霞

(51) Int. Cl.

C07K 16/40(2006. 01)

C12N 15/13(2006. 01)

A61K 39/395(2006. 01)

A61P 27/02(2006. 01)

权利要求书1页 说明书26页

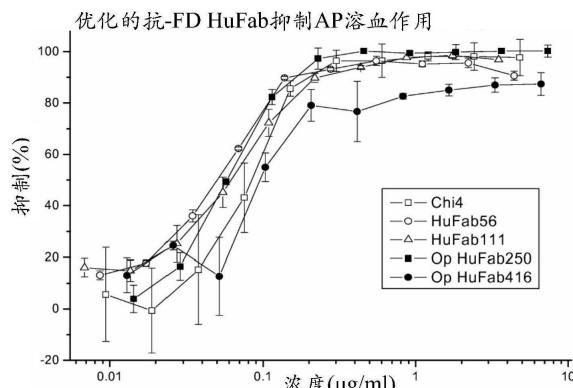
序列表26页 附图10页

(54) 发明名称

人源化的抗-D因子抗体

(57) 摘要

本发明涉及人源化的抗-D因子单克隆抗体、它们的核酸和氨基酸序列、含有这些抗体的细胞和载体以及这些抗体在制备用于治疗与过度或不受控制的补体激活有关的疾病和病症的组合物和药物中的应用。这些抗体可用于疾病的诊断、预防和治疗。



1. 抗-D 因子抗体或其抗原结合片段, 其包含具有与 SEQ ID NO:5 具有至少 99% %一致性的氨基酸序列的轻链可变区以及具有与 SEQ ID NO:6 具有至少 99% %一致性的氨基酸序列的重链可变区。
2. 抗-D 因子抗体或其抗原结合片段, 其包含具有与 SEQ ID NO:7 具有至少 99% %一致性的氨基酸序列的轻链可变区以及具有与 SEQ ID NO:8 具有至少 99% %一致性的氨基酸序列的重链可变区。
3. 抗-D 因子抗体或其抗原结合片段, 其包含具有与 SEQ ID NO:9 具有至少 99% %一致性的氨基酸序列的轻链可变区以及具有与 SEQ ID NO:10 具有至少 99% %一致性的氨基酸序列的重链可变区。
4. 抗-D 因子抗体或其抗原结合片段, 其包含具有与 SEQ ID NO:11 具有至少 99% %一致性的氨基酸序列的轻链可变区以及具有与 SEQ ID NO:12 具有至少 99% %一致性的氨基酸序列的重链可变区。
5. 如权利要求 2 所述的抗-D 因子抗体或其抗原结合片段, 其中 SEQ ID NO:7 的位点 104 处的氨基酸为缬氨酸或亮氨酸。
6. 分离的核酸, 其编码权利要求 1-5 的任一项的抗体或其抗原结合片段。
7. 包含权利要求 6 的核酸的载体。
8. 包含权利要求 7 的载体的宿主细胞。
9. 包含权利要求 1-5 的任一项的抗体或其抗原结合片段的组合物。
10. 权利要求 9 的组合物在制备用于治疗补体介导的病症的药物中用途。
11. 如权利要求 10 所述的用途, 其中所述病症是眼病。
12. 如权利要求 11 所述的用途, 其中所述眼病是年龄相关的黄斑变性或糖尿病性视网膜病。
13. 生成抗-D 因子抗体或其抗原结合片段的方法, 其包括 :
 - (i) 在培养基中培养权利要求 8 的宿主细胞 ; 和
 - (ii) 纯化表达的抗体或片段。
14. 通过权利要求 13 的方法获得的抗-D 因子抗体或其抗原结合片段。

人源化的抗 -D 因子抗体

[0001] 本申请是申请日为 2007 年 10 月 31 日、申请号为 200780048936.X、名称为“人源化的抗 -D 因子抗体”的发明申请的分案。

[0002] 发明背景

[0003] 补体系统在免疫复合物的清除以及在对感染试剂、外来抗原、病毒 - 感染细胞和肿瘤细胞的免疫应答中起着重要作用。然而, 补体还参与病理性的炎症以及自身免疫疾病。因此, 对过度或不受控制的补体级联激活加以抑制可以对患有这样的疾病和病情的患者提供临床益处。

[0004] 补体系统包括两个不同激活途径: 经典途径和旁路途径 (V. M. Holers, In Clinical Immunology: Principles and Practice, R. R. Rich 编辑, Mosby Press; 1996, 363-391)。经典途径为钙 / 镁 - 依赖的级联, 其通常由抗原 - 抗体复合物的形成激活。旁路途径为镁 - 依赖的级联, 其通过某些易感表面 (例如酵母和细菌的细胞壁多糖以及某些生物聚合物材料) 上 C3 的沉积和活化而被激活。补体途径的激活产生补体蛋白质的生物活性片段, 例如 C3a、C4a 和 C5a 过敏毒素以及 C5b-9 膜攻击复合物 (MAC), 它们介导炎症活动, 包括白细胞趋化反应, 巨噬细胞、嗜中性粒细胞、血小板、肥大细胞和内皮细胞的活化, 血管通透性, 细胞溶解以及组织损伤。

[0005] D 因子为旁路补体途径激活必不可缺的高特异性丝氨酸蛋白酶。其裂解结合 C3b 的 B 因子, 产生 C3b/Bb 酶, 其为旁路途径 C3/C5 蛋白转化酶的活性组分。D 因子可能是用于抑制的合适靶, 因为在人中其血浆浓度非常低 (1.8 μg/ml), 并且已经证明其为旁路补体途径激活的限速酶 (P. H. Lesavre 和 H. J. Muller-Eberhard. J. Exp. Med., 1978; 148: 1498-1510; J. E. Volanakis 等, New Eng. J. Med., 1985; 312: 395-401)。

[0006] 在动物模型和体外研究中已经显示, 下调补体活性对治疗一些疾病指征有效, 例如系统性红斑狼疮和肾小球肾炎 (Y. Wang 等, Proc. Natl. Acad. Sci., 1996, 93: 8563-8568)、风湿性关节炎 (Y. Wang 等, Proc. Natl. Acad. Sci., 1995, 92: 8955-8959)、心肺体外循环和血液透析 (C. S. Rinder, J. Clin. Invest., 1995; 96: 1564-1572)、器官移植中的超急性排斥 (T. J. Kroshus 等, Transplantation, 1995; 60: 1194-1202)、心肌梗死 (J. W. Homeister 等, J. Immunol., 1993; 150: 1055-1064; H. F. Weisman 等, Science, 1990; 249: 146-151)、再灌注损伤 (E. A. Amsterdam 等, Am. J. Physiol., 1995; 268: H448-H457)、以及成人呼吸窘迫综合征 (R. Rabinovici 等, J. Immunol., 1992; 149: 1744-1750)。此外, 其他炎性病症和自身免疫 / 免疫复合物疾病也与补体激活紧密相关 (V. M. Holers, ibid., B. P. Morgan. Eur. J. Clin. Invest., 1994; 24: 219-228), 包括烫伤、严重哮喘、过敏性休克、肠炎、荨麻疹、血管性水肿、脉管炎、多发性硬化、重症肌无力、膜增殖性肾小球肾炎和干燥综合症 (Sjogren's 综合症)。

[0007] 在补体 - 介导的病症领域需要抗体疗法, 而本发明人源化的抗体提供了有效满足该需求的高亲和力抗体。

[0008] 发明概述

[0009] 一般地, 本发明涉及包含小鼠抗体 166-32 的重链和轻链可变区序列的抗体, 小鼠

抗体 166-32 是能够抑制与 D 因子有关的生物活性的抗体。例如,在 18 μ g/ml 浓度时 (相当于血液中人 D 因子摩尔浓度的约 1.5 倍;抗-D 因子抗体与 D 因子的摩尔比约 1.5 :1), 可以观察到该抗体显著抑制旁路补体的活性 (参见,例如美国专利号 6,956,107)。

[0010] 本发明还涉及小鼠 Mab 166-32 的人源化抗体。本发明包括这些抗体的可变重链和轻链的氨基酸序列以及其相应的核酸序列。本发明的另一个实施方案包括这些抗体的 CDR 序列。

[0011] 本发明的另一个实施方案包括包含本发明抗体的组合物。在另一个实施方案中, 本发明提供了含有本发明抗体序列的细胞系和载体。在一个方面, 本发明包括制备和使用本发明抗体和组合物的方法。

[0012] 本发明的另一个实施方案是这些人源化抗体在制备治疗与过度或不受控制的补体激活有关的病症的药物或组合物中的应用。所述病症包括心肺体外循环期间的补体激活, 由急性心肌梗塞、动脉瘤、中风、出血性休克、挤压伤、多器官衰竭、低血容量性休克 (hypovolemic shock)、肠局部缺血或引起局部缺血的其他事件后的缺血-再灌注而引起的补体激活。还显示补体激活与炎性病症有关, 如严重烧伤、内毒素血症、脓毒性休克、成人呼吸窘迫综合征、血液透析、过敏性休克、严重哮喘、血管性水肿、克罗恩氏病、镰刀形红细胞贫血病、链球菌感染后肾小球肾炎和胰腺炎。病症可以是不良药物反应、药物过敏、IL-2 诱导的血管渗漏综合症或放射摄影造影剂过敏的结果。它还包括自身免疫性疾病如系统性红斑狼疮、重症肌无力、类风湿性关节炎、阿尔茨海默氏病和多发性硬化。补体激活还与移植排斥有关。此外, 补体激活与眼病如年龄 - 相关的黄斑变性、糖尿病性视网膜病有关。

[0013] 附图简述

[0014] 图 1A 和 1B 描述了小鼠 Mab 166-32 可变重链 (图 1A) 和可变轻链 (图 1B) 的氨基酸序列。

[0015] 图 2A 和 2B 描述了小鼠 Mab 166-32 可变重链 (图 2A) 和可变轻链 (图 2B) 的核酸序列。

[0016] 图 3 描述了小鼠 MAb 166-32 重链的比对。

[0017] 图 4 描述了小鼠 MAb 166-32 轻链的比对。

[0018] 图 5 描述了每一个人源化抗体克隆 #56、#111、#250 和 #416 的可变重链和可变轻链的氨基酸序列。

[0019] 图 6 描述了人源化抗体 Fab 克隆 #56、#111、#250 和 #416 的溶血实验结果。

[0020] 图 7 描述了人源化抗体 Fab 克隆 #56、#111、#250 和 #416 对旁路补体激活的抑制。

[0021] 图 8A-B (可变重链 (VH) 共有框架) 和图 9A-B (可变轻链 (VL) 共有框架) 描述了示例性的受者人共有框架序列, 其可用于实施本发明并具有如下序列标识符: (图 8A-B) 人 VH 亚组 I 共有框架减去 Kabat CDR (SEQ ID NO :28)、人 VH 亚组 I 共有框架减去延伸的高变区 (SEQ ID NO :29-31)、人 VH 亚组 II 共有框架减去 Kabat CDR (SEQ ID NO :32)、人 VH 亚组 II 共有框架减去延伸的高变区 (SEQ ID NO :33-35)、人 VH 亚组 III 共有框架减去 Kabat CDR (SEQ ID NO :36)、人 VH 亚组 III 共有框架减去延伸的高变区 (SEQ ID NO :37-39)、人 VH 亚组 VII 共有框架减去 Kabat CDR (SEQ ID NO :55)、人 VH 亚组 VII 共有框架减去延伸的高变区 (SEQ ID NO :56-58)、人 VH 受体框架减去 Kabat CDR (SEQ ID NO :40)、人 VH 受体框架减去延伸的高变区 (SEQ ID NO :41-42)、人 VH 受体 2 框架减去 Kabat CDR (SEQ ID NO :43)

和人 VH 受体 2 框架减去延伸的高变区 (SEQ ID NO :44-46) 以及 (图 9A-B) 人 VL κ 亚组 I 共有框架 (SEQ ID NO :47)、人 VL κ 亚组 II 共有框架 (SEQ ID NO :48)、人 κ 亚组 III 共有框架 (SEQ ID NO :49) 和人 κ 亚组 IV 共有框架 (SEQ ID NO :50)。

[0022] 发明详述

[0023] 定义

[0024] 本文全篇中所用的术语应解释为具有对本领域普通技术人员而言常规和典型的意义。然而,申请人希望给予下列术语如下特定定义。

[0025] 短语“基本一致”相对于抗体链多肽序列而言可以被解释为抗体链与参考多肽序列有至少约 70%、80%、90% 或 95% 的序列一致性。对于核酸序列,该术语可以被解释为核苷酸序列与参考核酸序列有至少约 85%、90%、95% 或 97% 的序列一致性。

[0026] 术语“一致性”或“同源性”应解释成是指,在比对序列并引入空隙 (如果需要,以使整个序列达到最大的序列一致性百分比) 之后,并且不考虑保守替代作为序列一致性的一部分时,候选序列中和与其比较的对应序列中的残基相同的氨基酸残基的百分数。N 端或 C 端延伸或插入不应被理解成是减少了-一致性或同源性。用于比对的方法和计算机程序是本领域所熟知的。用序列分析软件可以测定序列一致性。

[0027] 术语“抗体”以其最广的意义使用,并且特定地包括:单克隆抗体 (包括全长的单克隆抗体)、多克隆抗体和多特异性抗体 (例如双特异性抗体)。抗体 (Ab) 和免疫球蛋白 (Ig) 是具有相同结构特征的糖蛋白。抗体对特定靶表现出结合特异性,而免疫球蛋白则包括抗体以及缺乏靶特异性的其它抗体样分子。天然抗体和天然免疫球蛋白通常是约 150,000 道尔顿的异四聚体糖蛋白,其由两个相同的轻链 (L) 和两个相同的重链 (H) 组成。每条重链的一端有可变区 (VH),其后是多个恒定区。每条轻链的一端有可变区 (VL),另一端是恒定区。

[0028] 此处所用的“抗 - 人 D 因子抗体”指以抑制或基本上降低补体激活的方式特异性结合人 D 因子的抗体。

[0029] 在抗体可变区语境中所用的术语“可变”指:在抗体之间可变区的某些部分在序列上有很大的不同,并且这些部分在每个特定抗体对其特定靶的结合和特异性中有作用。然而,可变性并非均匀地分布在抗体可变区中。它集中在轻链和重链可变区中称为互补决定区 (CDR) (也称为高变区 (HVR)) 的三个节段中。可变区中更高度共有的部分称为框架 (FR)。天然重链和轻链的可变区各包含四个 FR 区,它们大多数采取 β 折叠构型,由三个 CDR 连接,该三个 CDR 连接形成环连接且在某些情况下形成 β 折叠的一部分。每条链中的多个 CDR 通过 FR 区连接在相邻近的位置,并且和另一条链的 CDR 一起形成抗体的靶结合部位 (参见 Kabat 等)。除非另外指明,如此处所用的,免疫球蛋白氨基酸残基的编号是根据 Kabat 等 (Sequences of Proteins of Immunological Interest, National Institute of Health, Bethesda, Md. 1987) 的免疫球蛋白氨基酸残基编号系统来进行的。

[0030] 术语“高变区”、“HVR”或“HV”在此使用时指其序列高度可变的和 / 或形成结构限定环的抗体可变区的区域。通常,抗体包括 6 个高变区:3 个在 VH 中 (H1、H2、H3),3 个在 VL 中 (L1、L2、L3)。本发明使用并包括许多高变区描述。Kabat 互补决定区 (CDR) 是基于序列可变性的且最常用 (Kabat 等, Sequences of Proteins of Immunological Interest, 第五版, Public Health Service, National Institutes of Health, Bethesda, MD. (1991))。

而 Chothia 指结构环的位置 (Chothia 和 Lesk J. Mol. Biol. 196 :901–917 (1987))。AbM 高变区代表 Kabat CDR 和 Chothia 结构环之间的折衷, 并且为 Oxford Molecular 的 AbM 抗体模型软件所使用。“接触”高变区是基于可获得的复合晶体结构分析。来自每个这些高变区的残基记录如下。

[0031]

环	Kabat	AbM	Chothia	接触
---	----	---	-----	-----
L1	L24-L34	L24-L34	L26-L32	L30-L36
L2	L50-L56	L50-L56	L50-L52	L46-L55
L3	L89-L97	L89-L97	L91-L96	L89-L96
H1	H31-H35B	H26-H35B	H26-H32	H30-H35B

[0032] Kabat 编号

[0033] H1 H31–H35 H26–H35 H26–H32 H30–H35

[0034] Chothia 编号

[0035]

H2	H50-H65	H50-H58	H53-H55	H47-H58
H3	H95-H102	H95-H102	H96-H101	H93-H101

[0036] 高变区可包括如下“延伸的高变区”: VL 中的 24–36 或 24–34(L1)、46–56 或 50–56(L2) 和 89–97(L3) 以及 VH 中的 26–35(H1)、50–65 或 49–65(H2) 和 93–102、94–102 或 95–102(H3)。每个这些定义的可变区残基根据上文的 Kabat 进行编号。

[0037] “框架”或“FR”残基为此处定义的除高变区残基或 CDR 残基以外的可变区残基。

[0038] 术语“如 Kabat 编号的可变区残基”或“如 Kabat 编号的氨基酸位点”及其变体, 指 Kabat 等, Sequences of Proteins of Immunological Interest, 第五版, Public Health Service, National Institutes of Health, Bethesda, MD. (1991) 中用于抗体编译的重链可变区或轻链可变区的编号系统。利用该编号系统, 事实上线性的氨基酸序列相应于对可变区 FR 或 CDR 的截短或插入可包含更少的或额外的氨基酸。例如, 重链可变区可包括 H2 的残基 52 后的单个氨基酸插入 (根据 Kabat 为残基 52a) 以及重链 FR 残基 82 后插入的残基 (例如根据 Kabat 为残基 82a、82b 和 82c 等等)。对于给定的抗体, 可通过将该抗体序列的同源区域与“标准的”Kabat 编号序列进行比对来确定其 Kabat 残基编号。

[0039] Kabat 编号系统通常在提及可变区中的残基 (大约轻链的残基 1–107 以及重链的残基 1–113) 时使用 (例如, Kabat 等, Sequences of Immunological Interest, 第五版, Public Health Service, National Institutes of Health, Bethesda, Md. (1991))。“EU 编号系统”或“EU 索引”通常在提及免疫球蛋白重链恒定区中的残基时使用 (例如, 上文 Kabat 等中报道的 EU 索引; 重链恒定区中的铰链区大约为重链的残基 216–230(EU 编号))。“如 Kabat 中的 EU 索引”指人 IgG1EU 抗体的残基编号。除非此处另有说明, 抗体可变区中的残基编号的参照物指通过 Kabat 编号系统编号的残基。除非此处另有说明, 抗体恒定区中的残基编号的参照物指通过 EU 编号系统编号的残基 (例如, 参见美国临时申请号 60/640, 323, EU 编号的图)。

[0040] 术语“抗体片段”指全长抗体的一部分,通常是靶结合区或可变区。抗体片段的例子包括 Fab、Fab'、F(ab')₂ 和 Fv 片段。短语抗体的“功能性片段或类似物”为具有与全长抗体相同的定性生物学活性的化合物。例如,抗 - 人 D 因子抗体的功能性片段或类似物为可以阻止或基本上降低补体激活的方式结合 D 因子的一种化合物。如此处所用的,对于抗体“功能性片段”是指 Fv、F(ab) 和 F(ab')₂ 片段。“Fv”片段是含有全部靶识别和结合位点的最小抗体片段。该区域由紧密、非共价关联的一个重链可变区和一个轻链可变区的二聚物 (V_H-V_L二聚物) 组成。在该构型中,各可变区中的三个 CDR 相互作用,从而形成 V_H-V_L 二聚物表面上的靶结合位点。6 个 CDR 共同赋予抗体靶结合特异性。然而,即使是单个可变区(或 Fv 的一半,只包含对靶有特异性的三个 CDR)也能识别并结合抗原。“单链 Fv”或“sFv”抗体片段包括抗体的 V_H 和 V_L 结构域,其中这些结构域存在于单个多肽链中。通常, Fv 多肽进一步包括 V_H 和 V_L 结构域之间的多肽接头,其使 sFv 形成靶结合所需的结构。

[0041] Fab 片段含有轻链的恒定区和重链的第一个恒定区 (CH1)。Fab' 片段和 Fab 片段不同,因为在重链 CH1 区的羧基端增加了几个残基(包括来自抗体铰链区的一个或多个半胱氨酸)。通过裂解 F(ab')₂ 胃蛋白酶消化产物的铰链半胱氨酸处的二硫键,产生 Fab' 片段。抗体片段的其它化学偶联方式也是本领域普通技术人员已知的。

[0042] 此处所用的术语“单克隆抗体”指从一群基本均一的抗体中获得的抗体,即该群体中包含的各个抗体是相同的,除了很少量可能存在的天然发生的突变外。单克隆抗体是高特异性的,针对单个靶位点。而且,与通常包括针对不同决定簇(表位)的不同抗体的常规(多克隆)抗体制剂不同,每个单克隆抗体针对靶上的单个决定簇。除了它们的特异性外,单克隆抗体的优点还在于它们是通过杂交瘤培养来合成的,不会被其它免疫球蛋白污染。修饰语“单克隆”表示抗体是从基本均一的抗体群中获得的特性,不应被解释成需要用任何特殊方法来制备抗体。例如,用于本发明的单克隆抗体可用本领域熟知的技术从噬菌体抗体文库中分离获得。用于本发明的单克隆抗体可用杂交瘤方法(由 Kohler 和 Milstein, Nature, 256:495(1975) 首先提出)制得,或可用重组方法制得。

[0043] “人源化”形式的非人(如小鼠)抗体是嵌合的免疫球蛋白、免疫球蛋白链或其片段(如抗体的 Fv、Fab、Fab'、F(ab')₂ 或其它靶结合亚序列),它们含有来自非人免疫球蛋白的最小序列。通常,人源化抗体包含了基本上所有的(至少一个、通常两个)可变区,其中所有或基本上所有的 CDR 区对应于非人免疫球蛋白的 CDR 区,所有或基本上所有 FR 区是人免疫球蛋白共有序列的 FR 区。人源化抗体还可以包括免疫球蛋白恒定区 (Fc) 的至少一部分,通常是所选的人免疫球蛋白模板的 Fc 部分。

[0044] 用于人源化非 - 人抗体的方法为本领域所熟知。通常,人源化抗体具有引入的来自非 - 人来源的一个或多个氨基酸残基。这些非 - 人的氨基酸残基常常称为“引入”残基,其通常取自“引入”可变区。可基本上根据 Winter 和其同事的方法 [Jones 等, Nature, 321:522-525(1986); Reichmann 等, Nature, 332:323-329(1988); Verhoeyen 等, Science, 239:1534-1536(1988)], 通过用一个或多个啮齿类 CDR 取代人抗体的相应序列来进行人源化。因此,所述“人源化”抗体为嵌合抗体(美国专利号 4,816,567),其中并不是完整的人可变区均被来自非 - 人物种的相应序列代替。实际上,人源化抗体通常为人抗体,其中一些 CDR 残基和可能一些 FR 残基由来自啮齿类抗体中类似位点的残基代替。

[0045] 在一些情况下,当抗体将被用于治疗人时,选择用于制备人源化抗体的人可变区

(轻链和重链)对于降低抗原性和 / 或 HAMA 应答(人抗小鼠抗体)很重要。HAMA 应答的降低或消除通常为临床开发合适治疗剂的重要方面。参见例如., Khaxzaeli 等, J. Natl. Cancer Inst. (1988), 80:937; Jaffers 等, Transplantation (1986), 41:572; Shawler 等, J. Immunol. (1985), 135:1530; Sears 等, J. Biol. Response Mod. (1984), 3:138; Miller 等, Blood (1983), 62:988; Hakimi 等, J. Immunol. (1991), 147:1352; Reichmann 等, Nature (1988), 332:323; Junghans 等, Cancer Res. (1990), 50:1495。如此处所述的,本发明提供了人源化抗体,使得 HAMA 应答得到降低或消除。可进一步利用本领域已知的常规方法获得这些抗体的变体,其中一些进一步如下文所述。根据所谓的“最佳拟合”方法,基于已知的人可变区序列的完整文库筛查啮齿类抗体可变区的序列。鉴定最接近于啮齿类 V 结构域序列的人 V 结构域序列,并且其内部的人框架区 (FR) 接受人源化抗体 (Sims 等, J. Immunol. 151:2296 (1993); Chothia 等, J. Mol. Biol., 196:901 (1987))。另一种方法利用源自特定轻链或重链亚组的所有人抗体的共有序列的特定框架区。相同的框架可用于若干不同的人源化抗体 (Carter 等, Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 89:4285 (1992); Presta 等, J. Immunol. 151:2623 (1993))。

[0046] 例如,来自此处所述的抗体的氨基酸序列可用作起始(亲本)序列,用于使框架和 / 或高变序列多样化。所选的连接起始高变序列的框架序列在此指受者人框架。虽然该受者人框架可以是来自或源自人免疫球蛋白(其 VL 和 / 或 VH 区域),但该受者人框架可以来自或源自人的共有序列框架,因为这样的框架区已被证实在人患者中具有最低的或没有免疫原性。对于本发明目的而言,“受者人框架”为这样的框架,其包含源自人免疫球蛋白框架的 VL 或 VH 框架的氨基酸序列,或来自人共有序列框架的氨基酸序列。“源自”人免疫球蛋白框架或人共有序列框架的受者人框架可以包括其相同的氨基酸序列或可以包含之前存在的氨基酸序列改变。当存在之前存在的氨基酸改变时,优选存在不超过 5 个并且优选 4 个或更少、或 3 个或更少的之前存在的氨基酸改变。在一个实施方案中, VH 受者人框架的序列与 VH 人免疫球蛋白框架序列或人共有序列框架相同。在一个实施方案中, VL 受者人框架的序列与 VL 人免疫球蛋白框架序列或人共有序列框架相同。“人共有序列框架”为代表人免疫球蛋白 VL 或 VH 框架序列选择中最常出现的氨基酸残基的框架。通常,人免疫球蛋白 VL 或 VH 序列的选择来自可变区序列的亚组。通常,序列亚组为如 Kabat 等中的亚组。在一个实施方案中,对于 VL, 该亚组为 Kabat 等中的 kappa I 亚组。在一个实施方案中,对于 VH, 该亚组为 Kabat 等中的 kappa III 亚组。

[0047] 如果受者源自人免疫球蛋白,可以任选地如下选择人框架序列:通过比对供者框架序列与人框架序列集合中不同的人框架序列基于人框架序列与供者框架序列的同源性进行选择,并且选择最同源的框架序列作为受者。受者人框架区以来自或源自公共数据库中可获得的人抗体胚系序列。

[0048] 在一个实施方案中,此处的人共有序列框架来自或源自 VH 亚组 VII 和 / 或 VL κ 亚组 I 共有序列框架。

[0049] 在一个实施方案中,用于制备抗-D 因子抗体的人框架模板可包括来自下述模板的框架序列,该模板包含 VH 链中的 VI-4.1b+(VH7 家族)与 JH4d 组合(图 3)和 / 或 VL 链中的 DPK4(V κ I 家族)与 JK2 组合(图 4)。

[0050] 因此, VH 受者人框架可以包括一种、两种、三种或所有下列框架序列:包含

QX₁QLVQSGX₂ELKKPGASVKVSCKAS (SEQ ID NO :27 的氨基酸 1-25) 的 FR1, 其中 X₁为 I 或 V, X₂为 P 或 S ;包含 Wvx₃QAPGQGLE (SEQ ID NO :27 的氨基酸 36-46) 的 FR2, 其中 X₃为 K 或 R ;包含 RFVFSLDTSVSTAYLQISSLKAEDTAX₄YYCX₅R (SEQ ID NO :27 的氨基酸 67-98) 的 FR3, 其中 X₄为 T 或 V, X₅为 E 或 A ;包含 WGQGTLTVSS (SEQ ID NO :8 的氨基酸 105-115 或 SEQ ID NO :27 的氨基酸 105-115) 的 FR4。

[0051] VH 共有框架的例子包括 :

- [0052] 人 VH 亚组 I 共有框架减去 Kabat CDR (SEQ ID NO :28) ;
- [0053] 人 VH 亚组 I 共有框架减去延伸的高变区 (SEQ ID NO :29-31) ;
- [0054] 人 VH 亚组 II 共有框架减去 Kabat CDR (SEQ ID NO :32) ;
- [0055] 人 VH 亚组 II 共有框架减去延伸的高变区 (SEQ ID NO :33-35) ;
- [0056] 人 VH 亚组 III 共有框架减去 Kabat CDR (SEQ ID NO :36) ;
- [0057] 人 VH 亚组 III 共有框架减去延伸的高变区 (SEQ ID NO :37-39) ;
- [0058] 人 VH 亚组 VII 共有框架减去 Kabat CDR (SEQ ID NO :55) ;
- [0059] 人 VH 亚组 VII 共有框架减去延伸的高变区 (SEQ ID NO :56-58) ;
- [0060] 人 VH 受者框架减去 Kabat CDR (SEQ ID NO :40) ;
- [0061] 人 VH 受者框架减去延伸的高变区 (SEQ ID NO :41-42) ;
- [0062] 人 VH 受者 2 框架减去 Kabat CDR (SEQ ID NO :43) ;或
- [0063] 人 VH 受者 2 框架减去延伸的高变区 (SEQ ID NO :44-45) ;
- [0064] 在一个实施方案中, VH 受者人框架包括一个、两个、三个或所有下列框架序列 :
- [0065] 包含 QVQLVQSGPELKPGASVKVSCKAS (SEQ ID NO :8 的氨基酸 1-25) 的 FR1,
- [0066] 包含 WVRQAPGQGLE (SEQ ID NO :8 的氨基酸 36-46) 的 FR2,
- [0067] 包含 RFVFSLDTSVSTAYLQISSLKAEDTAVYYCER (SEQ ID NO :8 的氨基酸 67-98) 的 FR3,
- [0068] RFVFSLDTSVSTAYLQISSLKAEDTAVYYCE (SEQ ID NO :8 的氨基酸 67-97) ,
- [0069] RFVFSLDTSVSTAYLQISSLKAEDTAVYYC (SEQ ID NO :8 的氨基酸 67-96) ,
- [0070] RFVFSLDTSVSTAYLQISSLKAEDTAVYYCS (SEQ ID NO :51) ,或
- [0071] RFVFSLDTSVSTAYLQISSLKAEDTAVYYCSR (SEQ ID NO :52) ,
- [0072] 包含 WGQGTLTVSS (SEQ ID NO :8 的氨基酸 105-115 或 SEQ ID NO :27 的氨基酸 105-115) 的 FR4。

[0073] VL 受者人框架可以包括一个、两个、三个或所有下列框架区序列 :

- [0074] 包含 DIQX₆TQSPSSLSX₇SVGDRVTITC (SEQ ID NO :26 的氨基酸 1-23) 的 FR1, 其中 X₆为 V 或 M, X₇为 M 或 A ;
- [0075] 包含 WYQQKPGKX₈PKLLIX₉ (SEQ ID NO :26 的氨基酸 35-49) 的 FR2, 其中 X₈为 P 或 V, X₉为 S 或 Y ;
- [0076] 包含 GVPSRFSX₁₀SGSGX₁₁DFTLTISLQPEDVATYYC (SEQ ID NO :26 的氨基酸 57-88) 的 FR3, 其中 X₁₀为 S 或 G, X₁₁为 A 或 T ;
- [0077] 包含 FGQGTX₁₂EIK (SEQ ID NO :54) 的 FR4, 其中 X₁₂为 V 或 L。

[0078] VL 共有框架的例子包括 :

- [0079] 人 VL κ 亚组 I 共有框架 (SEQ ID NO :47) ;
- [0080] 人 VL κ 亚组 II 共有框架 (SEQ ID NO :48) ;

- [0081] 人 VL κ 亚组 III 共有框架 (SEQ ID NO :49) ;或
- [0082] 人 VL κ 亚组 IV 共有框架 (SEQ ID NO :50)。
- [0083] 在一个实施方案中, VL 受者人框架可以包括一个、两个、三个或所有下列框架序列：
- [0084] 包含 DIQVTQSPSSLASAVGDRVTITC (SEQ ID NO :7 的氨基酸 1-23) 的 FR1,
- [0085] 包含 WYQQKPGKVPKLLIS (SEQ ID NO :7 的氨基酸 35-49) 的 FR2,
- [0086] 包含 GVPSRFSGSGSGTDFLTISLQPEDVATYYC (SEQ ID NO :7 的氨基酸 57-88) 的 FR3,
- [0087] 包含 FGQGKTKLEIK (SEQ ID NO :7 的氨基酸 98-107) 的 FR4, 或
- [0088] FGQGKTKVEIK (SEQ ID NO :53)。
- [0089] 虽然受者的序列可以与所选的人框架序列相同, 无论该人框架序列来自人免疫球蛋白或是人共有框架, 本发明预期受者序列可以包括相对于人免疫球蛋白序列或人共有框架序列而言之前存在的氨基酸取代。这些之前存在的取代优选为最少的; 通常相对于人免疫球蛋白序列或共有框架序列仅 4 个、3 个、2 个或 1 个氨基酸不同。
- [0090] 将非 - 人抗体的高变区残基掺入 VL 和 / 或 VH 受体人框架中。例如, 可以掺入对应于 Kabat CDR 残基、Chothia 高变环残基、Abm 残基和 / 或接触残基的残基。任选地, 以下延伸的高变区残基可被掺入: 24-34 (L1)、50-56 (L2) 和 89-97 (L3), 26-35 (H1)、50-65 或 49-65 (H2) 和 93-102、94-102 或 95-102 (H3)。
- [0091] 在一个方面, 本发明提供了包含至少一个、两个、三个、四个、五个或六个 HVR 的抗体, 所述 HVR 选自 (a) HVR-H1, 其包含选自 SEQ ID NO :13 和 SEQ ID NO :25 的氨基酸序列; (b) HVR-H2, 其包含 SEQ ID NO :14 的氨基酸序列; (c) HVR-H3, 其包含选自 SEQ ID NO :15 和 SEQ ID NO :20 的氨基酸序列; (d) HVR-L1, 其包含 SEQ ID NO :16 的氨基酸序列; (e) HVR-L2, 其包含选自 SEQ ID NO :17、SEQ ID NO :21 和 SEQ ID NO :24 的氨基酸序列; 和 (f) HVR-L3, 其包含选自 SEQ ID NO :18、SEQ ID NO :22 和 SEQ ID NO :19 的氨基酸序列。
- [0092] 在一个方面, 本发明提供包含至少一个、两个、三个、四个、五个或六个 HVR 的抗 -D 因子抗体, 所述 HVR 选自 (a) HVR-H1, 其包含与选自 SEQ ID NO :13 和 SEQ ID NO :25 的氨基酸序列具有至少 90%、91%、92%、93%、94%、95%、96%、97%、98% 或 99% 序列一致性的氨基酸序列; (b) HVR-H2, 其包含与 SEQ ID NO :14 的氨基酸序列具有至少 90%、91%、92%、93%、94%、95%、96%、97%、98% 或 99% 序列一致性的氨基酸序列; (c) HVR-H3, 其包含与选自 SEQ ID NO :15 和 SEQ ID NO :20 的氨基酸序列具有至少 90%、91%、92%、93%、94%、95%、96%、97%、98% 或 99% 序列一致性的氨基酸序列; (d) HVR-L1, 其包含与 SEQ ID NO :16 的氨基酸序列具有至少 90%、91%、92%、93%、94%、95%、96%、97%、98% 或 99% 序列一致性的氨基酸序列; (e) HVR-L2, 其包含与选自 SEQ ID NO :17、SEQ ID NO :21 和 SEQ ID NO :24 的氨基酸序列具有至少 90%、91%、92%、93%、94%、95%、96%、97%、98% 或 99% 序列一致性的氨基酸序列; 和 (f) HVR-L3, 其包含与选自 SEQ ID NO :18、SEQ ID NO :22 和 SEQ ID NO :19 的氨基酸序列具有至少 90%、91%、92%、93%、94%、95%、96%、97%、98% 或 99% 序列一致性的氨基酸序列。在一些实施方案中, 含有与参照序列具有至少 90%、91%、92%、93%、94%、95%、96%、97%、98% 或 99% 序列一致性的氨基酸序列的 HVR 包含取代、插入或缺失, 但包含那些氨基酸序列的抗体保留结合 D 因子的能力。在一些实施方案中, 在选自 SEQ ID NO :13、SEQ ID NO :25、SEQ ID NO :14、SEQ ID NO :15、SEQ ID NO :20、

SEQ ID NO :16、SEQ ID NO :17、SEQ ID NO :21、SEQ ID NO :23、SEQ ID NO :18、SEQ ID NO :22 和 SEQ ID NO :24 的参照序列中总共有 1 至 10 个氨基酸被取代、插入或缺失。在一些实施方案中,本发明提供了包含至少一个、两个、三个、四个、五个或六个 HVR 的抗体,所述 HVR 选自 (a)HVR-H1,其包含选自 SEQ ID NO :13 和 SEQ ID NO :25 的氨基酸序列 ;(b)HVR-H2,其包含 SEQ ID NO :14 的氨基酸序列 ;(c)HVR-H3,其包含选自 SEQ ID NO :15 和 SEQ ID NO :20 的氨基酸序列 ;(d)HVR-L1,其包含 SEQ ID NO :16 的氨基酸序列 ;(e) 的 HVR-L2,其包含选自 SEQ ID NO :17、SEQ ID NO :21 和 SEQ ID NO :24 的氨基酸序列 ;和 (f)HVR-L3,其包含选自 SEQ ID NO :18、SEQ ID NO :22 和 SEQ ID NO :19 的氨基酸序列。

[0093] 在一个方面,本发明提供了包含选自 SEQ ID NO :6、SEQ ID NO :8、SEQ ID NO :10、SEQ ID NO :12 的重链可变区的抗体。在一个方面,本发明提供了包含选自 SEQ ID NO :5、SEQ ID NO :7、SEQ ID NO :9 和 SEQ ID NO :11 的轻链可变区的抗体。在一个方面,本发明提供了包含含有 SEQ ID NO :6 的重链可变区的抗体。在一个方面,本发明提供了包含含有 SEQ ID NO :5 的轻链可变区的抗体。在一个方面,本发明提供了包含含有 SEQ ID NO :8 的重链可变区的抗体。在一个方面,本发明提供了包含含有 SEQ ID NO :7 的轻链可变区的抗体。在一个方面,本发明提供了包含含有 SEQ ID NO :8 的重链可变区和含有 SEQ ID NO :7 的轻链可变区的抗体。在一个方面,本发明提供了包含含有 SEQ ID NO :10 的重链可变区的抗体。在一个方面,本发明提供了包含含有 SEQ ID NO :9 的轻链可变区的抗体。在一个方面,本发明提供了包含含有 SEQ ID NO :10 的重链可变区和含有 SEQ ID NO :9 的轻链可变区的抗体。在一个方面,本发明提供了包含含有 SEQ ID NO :12 的重链可变区的抗体。在一个方面,本发明提供了包含含有 SEQ ID NO :11 的轻链可变区的抗体。在一个方面,本发明提供了包含含有 SEQ ID NO :12 的重链可变区和含有 SEQ ID NO :11 的轻链可变区的抗体。

[0094] 在一个方面,本发明提供了包含重链可变区的抗 -D 因子抗体,该重链可变区包含与选自 SEQ ID NO :6、8、10 和 12 的氨基酸序列具有至少 90%、91%、92%、93%、94%、95%、96%、97%、98% 或 99% 序列一致性的氨基酸序列。在一些实施方案中,与参照序列具有至少 90%、91%、92%、93%、94%、95%、96%、97%、98% 或 99% 序列一致性的氨基酸序列包含取代、插入或缺失,但包含该氨基酸序列的抗体保留结合 D 因子的能力。在一些实施方案中,在选自 SEQ ID NO :6、8、10 或 12 的序列中,总共有 1 至 10 个氨基酸被取代、插入或缺失。在一些实施方案中,所述取代、插入或缺失存在于 HVR 以外的区域(即在 FR 中)。在一些实施方案中,抗 -D 因子抗体包含含有选自 SEQ ID NO :6、8、10 或 12 的氨基酸序列的重链可变区。

[0095] 在一些实施方案中,本发明提供了包含轻链可变区的抗 -D 因子抗体,该轻链可变区包含与选自 SEQ ID NO :5、7、9 和 11 的氨基酸序列具有至少 90%、91%、92%、93%、94%、95%、96%、97%、98% 或 99% 序列一致性的氨基酸序列。在一些实施方案中,与参照序列具有至少 90%、91%、92%、93%、94%、95%、96%、97%、98% 或 99% 序列一致性的氨基酸序列包含取代、插入或缺失,但包含那些氨基酸序列的抗体保留结合 D 因子的能力。在一些实施方案中,在选自 SEQ ID NO :5、7、9 和 11 的序列中,总共有 1 至 10 个氨基酸被取代、插入或缺失。在一些实施方案中,该取代、插入或缺失存在于 HVR 以外的区域(即在 FR 中)。

在一些实施方案中,抗-D 因子抗体包含具有选自 SEQ ID NO :5、7、9 和 11 的氨基酸序列的轻链可变区。

[0096] 抗-D 因子抗体可以包含任何合适的框架可变区序列,条件是该抗体保留结合 D 因子的能力。例如,在一些实施方案中,本发明的抗-D 因子抗体包含的重链可变区框架序列是 V1.4.1b+ 和 JH4d 的组合(参见图 3)。在一些实施方案中,本发明的抗-D 因子抗体包含人亚组 VII 重链框架区共有序列。在一些实施方案中,本发明的抗-D 因子抗体包含的重链可变区框架序列包含 FR1,其包含 SEQ ID NO :8 的氨基酸 1-25;FR2,其包含 SEQ ID NO :8 的氨基酸 36-46;FR3,其包含 SEQ ID NO :8 的氨基酸 67-98;和 FR4,其包含 SEQ ID NO :8 的氨基酸 105-115。在这些抗体的一个实施方案中,所述重链可变区序列包含位点 40 和 / 或 88(Kabat 编号)处的取代。这些抗体的一个实施方案中,位点 40 为半胱氨酸 (C) 或丙氨酸 (A) 和 / 或位点 88 为半胱氨酸 (C) 或丙氨酸 (A)。在一些实施方案中,本发明的抗-D 因子抗体包含的轻链可变区框架序列是 DPK4 和 JK2 的组合(参见图 4)。在一些实施方案中,本发明的抗-D 因子抗体包含人 κ I (κ I) 轻链框架共有序列。在一些实施方案中,本发明的抗-D 因子抗体包含的轻链可变区框架序列包含 FR1,其包含 SEQ ID NO :7 的氨基酸 1-23;FR2,其包含 SEQ ID NO :7 的氨基酸 35-49;FR3,其包含 SEQ ID NO :7 的氨基酸 57-88;和 FR4,其包含 SEQ ID NO :7 的氨基酸 98-107。在这些抗体的一个实施方案中,所述轻链可变区框架序列包含位点 15、43 和 / 或 104(Kabat 编号)处的一个或多个取代。这些抗体的一个实施方案中,位点 15 为半胱氨酸 (C) 或缬氨酸 (V),位点 43 为半胱氨酸 (C) 或丙氨酸 (A) 和 / 或位点 104 为缬氨酸 (V) 或亮氨酸 (L)。

[0097] 进一步地,抗-D 因子抗体可以包含任何合适的恒定区序列,条件是该抗体保留结合 D 因子的能力。例如,在一些实施方案中,本发明的抗-D 因子抗体至少包含重链恒定区的一部分。在一个实施方案中,本发明的抗-D 因子抗体包含 α 、 δ 、 ϵ 、 γ 或 μ 重链的一种或其组合的重链恒定区。取决于其重链恒定区 (C_{H}) 的氨基酸序列,免疫球蛋白可分为不同的类别或同种型。存在五种类别的免疫球蛋白:IgA、IgD、IgE、IgG 和 IgM,分别具有命名为 α 、 δ 、 ϵ 、 γ 和 μ 的重链。基于在 C_{H} 序列和功能方面的相对微小的差别,将 γ 和 α 类别进一步分成亚类,例如人表达下列亚类:IgG1、IgG2、IgG3、IgG4、IgA1 和 IgA2。在一个实施方案中,本发明的抗-D 因子抗体包含的重链恒定区在对效应子功能(例如结合亲和力)产生预期效果的氨基酸位点处包含取代。在一个实施方案中,本发明的抗-D 因子抗体包含的重链恒定区在对效应子功能(例如结合亲和力)不产生预期效果的氨基酸位点处包含取代。在一个实施方案中,本发明的抗-D 因子抗体包含 IgG 类型(例如 IgG1、IgG2、IgG3 或 IgG4) 的重链恒定区,并且进一步包含位点 114(Kabat 编号;相当于 EU 编号的 118)、168(Kabat 编号;相当于 EU 编号的 172)、172(Kabat 编号;相当于 EU 编号的 176) 和 / 或 228(EU 编号)处的取代。在一个实施方案中,本发明的抗-D 因子抗体包含 IgG(例如 IgG1、IgG2、IgG3 或 IgG4) 类型的重链恒定区,并且进一步包含位点 114 处的取代,其中位点 114 为半胱氨酸 (C) 或丙氨酸 (A),位点 168 为半胱氨酸 (C) 或丙氨酸 (A),位点 172 为半胱氨酸 (C) 或丙氨酸 (A) 和 / 或位点 228 为脯氨酸 (P)、精氨酸 (R) 或丝氨酸 (S)。

[0098] 进一步地,例如在一些实施方案中,本发明的抗-D 因子抗体包含轻链恒定区的至少一部分。在一个实施方案中,本发明的抗-D 因子抗体包含 κ 或 λ 轻链的一种或其组合的轻链恒定区,因为基于轻链恒定区的氨基酸序列,来自任何脊椎动物物种的轻链可分类

到两种明显不同类型（称为 κ 和 λ ）中的一种。在一个实施方案中，本发明的抗-D 因子抗体包含的轻链恒定区在对效应子功能（例如结合亲和力）产生预期效果的氨基酸位点处包含取代。在一个实施方案中，本发明的抗-D 因子抗体包含的轻链恒定区在对效应子功能（例如结合亲和力）不产生预期效果的氨基酸位点处包含取代。在一个实施方案中，本发明的抗-D 因子抗体包含 κ 类型的轻链恒定区，并且进一步包含位点 110、144、146 和 / 或 168 (Kabat 编号) 处的取代。在一个实施方案中，本发明的抗-D 因子抗体包含 κ 类型的轻链恒定区，并且进一步包含位点 110 处的取代，其中位点 110 为半胱氨酸 (C) 或缬氨酸 (V)；位点 144 的取代，其中位点 144 为半胱氨酸 (C) 或丙氨酸 (A)；位点 146 的取代，其中位点 146 为异亮氨酸 (I) 或缬氨酸 (V)；和 / 或位点 168 的取代，其中位点 168 为半胱氨酸 (C) 或丝氨酸 (S)。

[0099] 在一个方面，本发明提供了与小鼠抗 166-32 和 / 或人源化抗-D 因子抗体克隆 #56、#111、#250 或 #416 和 / 或包含人源化抗-D 因子抗体克隆 #56、#111、#250 或 #416 的可变区或 HVR 序列的抗体竞争的抗体。本发明还提供了与小鼠抗 166-32 和 / 或人源化抗-D 因子抗体克隆 #56、#111、#250 或 #416 和 / 或包含人源化抗-D 因子抗体克隆 #56、#111、#250 或 #416 的可变区或 HVR 序列的抗体结合相同表位的抗体。

[0100] 在一个实施方案中，本发明提供了抗-D 因子抗体，其中该抗体对 D 因子的单价亲和力（例如该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力）较低，例如比嵌合抗体的单价亲和力（例如该嵌合抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力）低至少 1 倍或 2 倍，该抗体包含 SEQ ID NO :2 的轻链可变区和 SEQ ID NO :1 的重链可变区、或由 SEQ ID NO :2 的轻链可变区和 SEQ ID NO :1 的重链可变区组成，或基本上由 SEQ ID NO :2 的轻链可变区和 SEQ ID NO :1 的重链可变区组成。

[0101] 在一个实施方案中，本发明提供抗-D 因子抗体，其中该抗体对 D 因子的二价亲和力（例如该抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力）较低，例如比嵌合抗体的二价亲和力（例如该嵌合抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力）低至少 1 倍或 2 倍，该抗体包含 SEQ ID NO :2 的轻链可变区和 SEQ ID NO :1 的重链可变区、或由 SEQ ID NO :2 的轻链可变区和 SEQ ID NO :1 的重链可变区组成，或基本上由 SEQ ID NO :2 的轻链可变区和 SEQ ID NO :1 的重链可变区组成。

[0102] 在另一个实施方案中，本发明提供了抗-D 因子抗体，其中该抗体对 D 因子的单价亲和力（例如该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力）较高，例如比嵌合抗体的单价亲和力（例如该嵌合抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力）高至少 1 倍或 2 倍，该抗体包含 SEQ ID NO :2 的轻链可变区和 SEQ ID NO :1 的重链可变区、或由 SEQ ID NO :2 的轻链可变区和 SEQ ID NO :1 的重链可变区组成或基本上由 SEQ ID NO :2 的轻链可变区和 SEQ ID NO :1 的重链可变区组成。

[0103] 在另一个实施方案中，本发明提供了抗-D 因子抗体，其中该抗体对 D 因子的二价亲和力（例如该抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力）较高，例如比嵌合抗体的二价亲和力（例如该嵌合抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力）高至少 1 倍或 2 倍，该抗体包含 SEQ ID NO :2 的轻链可变区和 SEQ ID NO :1 的重链可变区、或由 SEQ ID NO :2 的轻链可变区和 SEQ ID NO :1 的重链可变区组成或基本上由 SEQ ID NO :2 的轻链可变区和 SEQ ID NO :1 的重链可变区组成。

[0104] 在另一个实施方案中,本发明提供了抗-D 因子抗体,其中该抗体以其单价形式对 D 因子的亲和力(例如,该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力)为 1.0nM(1.0×10^{-9} M) 或更高。在另一个实施方案中,本发明提供了抗-D 因子抗体,其中该抗体以其单价形式对 D 因子的亲和力(例如,该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力)为 0.5nM(0.5×10^{-9} M) 或更高。在另一个实施方案中,本发明提供抗-D 因子抗体,其中该抗体以其单价形式对 D 因子的亲和力(例如,该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力)为 1.0pM(1.0×10^{-12} M) 或更高。在另一个实施方案中,本发明提供抗-D 因子抗体,其中该抗体以其单价形式对 D 因子的亲和力(例如,该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力)为 0.5pM(0.5×10^{-12} M) 或更高。

[0105] 在另一个实施方案中,本发明提供了抗-D 因子抗体,其中该抗体以其二价形式对 D 因子的亲和力(例如,该抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力)为 1.0nM(1.0×10^{-9} M) 或更高。在另一个实施方案中,本发明提供了抗-D 因子抗体,其中该抗体以其二价形式对 D 因子的亲和力(例如,该抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力)为 0.5nM(0.5×10^{-9} M) 或更高。在另一个实施方案中,本发明提供了抗-D 因子抗体,其中该抗体以其二价形式对 D 因子的亲和力(例如,该抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力)为 1.0pM(1.0×10^{-12} M) 或更高。在另一个实施方案中,本发明提供了抗-D 因子抗体,其中该抗体以其二价形式对 D 因子的亲和力(例如,该抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力)为 0.5pM(0.5×10^{-12} M) 或更高。

[0106] 在另一个实施方案中,本发明提供了抗-D 因子抗体,其中该抗体以其单价形式对 D 因子的亲和力(例如,该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力)在 0.5mM (0.5×10^{-6} M) 和 0.5pM (0.5×10^{-12} M) 之间。在另一个实施方案中,本发明提供了抗-D 因子抗体,其中该抗体以其单价形式对 D 因子的亲和力(例如,该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力)在 15nM (15×10^{-9} M) 和 0.1nM (0.1×10^{-9} M) 之间。在另一个实施方案中,本发明提供了抗-D 因子抗体,其中该抗体以其单价形式对 D 因子的亲和力(例如,该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力)在 5.5nM (5.5×10^{-9} M) 和 1nM (1×10^{-9} M) 之间。在另一个实施方案中,本发明提供了抗-D 因子抗体,其中该抗体以其单价形式对 D 因子的亲和力(例如,该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力)在 0.5pM (0.5×10^{-12} M) 和 2mM (2×10^{-12} M) 之间。

[0107] 在另一个实施方案中,本发明提供了抗-D 因子抗体,其中该抗体以其二价形式对 D 因子的亲和力(例如,该抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力)在 0.5mM (0.5×10^{-6} M) 和 0.5pM (0.5×10^{-12} M) 之间。在另一个实施方案中,本发明提供了抗-D 因子抗体,其中该抗体以其二价形式对 D 因子的亲和力(例如,该抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力)在 10nM (10×10^{-9} M) 和 0.05nM (0.05×10^{-9} M) 之间。在另一个实施方案中,本发明提供了抗-D 因子抗体,其中该抗体以其二价形式对 D 因子的亲和力(例如,该抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力)在 5.5nM (5.5×10^{-9} M) 和 1nM (1×10^{-9} M) 之间。在另一个实施方案中,本发明提供了抗-D 因子抗体,其中该抗体以其二价形式对 D 因子的亲和力(例如,该抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力)在 0.5pM (0.5×10^{-12} M) 和 2pM (2×10^{-12} M) 之间。

[0108] 在另一个实施方案中,本发明提供了抗-D 因子抗体,其中该抗体以其单价形式对 D 因子的亲和力(例如,该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力)为约 0.37nM (3.7×10^{-9} M)。在另一个实施方案中,本发明提供了抗-D 因子抗体,其中该抗体以其单价形式对 D 因子的亲和力(例如,该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力)为约 0.33nM (3.3×10^{-9} M)。在另一个实施方案中,本发明提供了抗-D 因子抗体,其中该抗体以其单价形式对 D 因子的亲和力(例如,该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力)为约 0.3nM (3×10^{-9} M)。

力（例如，该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力）为约 0.51nM ($5.1 \times 10^{-9}\text{M}$)。在另一个实施方案中，本发明提供了抗 -D 因子抗体，其中该抗体以其单价形式对 D 因子的亲和力（例如，该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力）为约 2.7nM ($2.7 \times 10^{-9}\text{M}$)。在另一个实施方案中，本发明提供了抗 -D 因子抗体，其中该抗体以其单价形式对 D 因子的亲和力（例如，该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力）为约 1.4nM ($1.4 \times 10^{-9}\text{M}$)。在另一个实施方案中，本发明提供了抗 -D 因子抗体，其中该抗体以其单价形式对 D 因子的亲和力（例如，该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力）为约 1.4pM ($1.4 \times 10^{-12}\text{M}$)。在另一个实施方案中，本发明提供了抗 -D 因子抗体，其中该抗体以其二价形式对 D 因子的亲和力（例如，该抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力）为约 1.1pM ($1.1 \times 10^{-12}\text{M}$)。在另一个实施方案中，本发明提供了抗 -D 因子抗体，其中该抗体以其单价形式对 D 因子的亲和力（例如，该抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力）为约 0.19nM ($0.19 \times 10^{-9}\text{M}$)。在另一个实施方案中，本发明提供了抗 -D 因子抗体，其中该抗体以其二价形式对 D 因子的亲和力（例如，该抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力）为约 0.08nM ($0.08 \times 10^{-9}\text{M}$)。在另一个实施方案中，本发明提供了抗 -D 因子抗体，其中该抗体以其单价形式对 D 因子的亲和力（例如，该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力）为约 12.3nM ($12.3 \times 10^{-9}\text{M}$)。在另一个实施方案中，本发明提供了抗 -D 因子抗体，其中该抗体以其二价形式对 D 因子的亲和力（例如，该抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力）为约 9.0nM ($9.0 \times 10^{-9}\text{M}$)。

[0109] 在另一个实施方案中，本发明提供了抗 -D 因子抗体，其中该抗体以其单价形式对 D 因子的亲和力（例如，该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力）为约 1.4pM ($1.4 \times 10^{-12}\text{M}$) ± 0.5 。在另一个实施方案中，本发明提供了抗 -D 因子抗体，其中该抗体以其二价形式对 D 因子的亲和力（例如，该抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力）为约 1.1pM ($1.1 \times 10^{-12}\text{M}$) ± 0.6 。在另一个实施方案中，本发明提供了抗 -D 因子抗体，其中该抗体以其单价形式对 D 因子的亲和力（例如，该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力）为约 0.19nM ($0.19 \times 10^{-9}\text{M}$) ± 0.1 。在另一个实施方案中，本发明提供了抗 -D 因子抗体，其中该抗体以其二价形式对 D 因子的亲和力（例如，该抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力）为约 0.08nM ($0.08 \times 10^{-9}\text{M}$) ± 0.01 。在另一个实施方案中，本发明提供了抗 -D 因子抗体，其中该抗体以其单价形式对 D 因子的亲和力（例如，该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力）为约 12.3nM ($12.3 \times 10^{-9}\text{M}$) ± 2 。在另一个实施方案中，本发明提供了抗 -D 因子抗体，其中该抗体以其二价形式对 D 因子的亲和力（例如，该抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力）为约 9.0nM ($9.0 \times 10^{-9}\text{M}$) ± 1 。

[0110] 在另一个实施方案中，抗 -D 因子抗体可以具有约 3.7nM ($3.7 \times 10^{-9}\text{M}$) ± 2 的单价形式对 D 因子的亲和力（例如，该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力）。在另一个实施方案中，抗 -D 因子抗体可以具有约 3.3nM ($3.3 \times 10^{-9}\text{M}$) ± 2 的单价形式对 D 因子的亲和力（例如，该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力）。在另一个实施方案中，抗 -D 因子抗体可以具有约 5.1nM ($5.1 \times 10^{-9}\text{M}$) ± 2 的单价形式对 D 因子的亲和力（例如，该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力）。在另一个实施方案中，抗 -D 因子抗体可以具有约 2.7nM ($2.7 \times 10^{-9}\text{M}$) ± 2 的单价形式对 D 因子的亲和力（例如，该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力）。在另一个实施方案中，抗 -D 因子抗体可以具有约 1.4nM ($1.4 \times 10^{-9}\text{M}$) ± 2 的单价形式对 D 因子的亲和力（例如，该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力）。在另一个实施方案中，抗 -D

因子抗体可以具有约 1.4pM ($1.4 \times 10^{-12}\text{M}$) $+/-2$ 的单价形式对 D 因子的亲和力 (例如, 该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力)。在另一个实施方案中, 抗 -D 因子抗体可以具有约 1.1pM ($1.1 \times 10^{-12}\text{M}$) $+/-2$ 的二价形式对 D 因子的亲和力 (例如, 该抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力)。在另一个实施方案中, 抗 -D 因子抗体可以具有约 0.19nM ($0.19 \times 10^{-9}\text{M}$) $+/-2$ 的以其单价形式对 D 因子的亲和力 (例如, 该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力)。在另一个实施方案中, 抗 -D 因子抗体可以具有约 0.08nM ($0.08 \times 10^{-9}\text{M}$) $+/-2$ 的以其二价形式对 D 因子的亲和力 (例如, 该抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力)。在另一个实施方案中, 抗 -D 因子抗体可以具有约 12.3nM ($12.3 \times 10^{-9}\text{M}$) $+/-2$ 的以其单价形式对 D 因子的亲和力 (例如, 该抗体作为 Fab 片段对 D 因子的亲和力)。在另一个实施方案中, 抗 -D 因子抗体可以具有约 9.0nM ($9.0 \times 10^{-9}\text{M}$) $+/-2$ 的以其二价形式对 D 因子的亲和力 (例如, 该抗体作为 IgG 对 D 因子的亲和力)。

[0111] 如本领域公认的, 可利用任何各种测定法测定配体对其受体的结合亲和力, 并且通过各种定量值表示。因此, 在一个实施方案中, 结合亲和力 (binding affinity) 可以表示为 K_d 值并且反映固有的结合亲和力 (例如具有最小化的活动性 (avidity) 影响)。通常并且优选在体外测量结合亲和力, 可以用无细胞的或细胞相关的装置。如此处更详细描述的, 可通过人源化抗体的单价结合亲和力值 (例如, 以 Fab 形式) 与对照 / 比较抗体 (例如具有供者高变区序列的小鼠抗体) 的单价结合亲和力值 (例如, 以 Fab 形式) 的比例对结合亲和力的倍数差异进行定量, 其中所述结合亲和力值在类似的测定条件下测定。因此在一个实施方案中, 结合亲和力的倍数差异被确定为 Fab 形式的人源化抗体与所述对照 / 比较 Fab 抗体的 K_d 值的比例。例如, 在一个实施方案中, 如果本发明的抗体 (A) 具有比对照抗体 (M) 的亲和力低“3 倍”的亲和力, 则如果 A 的 K_d 值为 $3\times$, M 的 K_d 值将为 $1\times$, 并且 A 的 K_d 与 M 的 K_d 的比值将为 $3:1$ 。反之, 在一个实施方案中, 如果本发明的抗体 (C) 具有比对照抗体 (R) 的亲和力高“3 倍”的亲和力, 则如果 C 的 K_d 值为 $1\times$, R 的 K_d 值将为 $3\times$, 并且 C 的 K_d 与 R 的 K_d 的比值将为 $1:3$ 。本领域已知的任何多种测定法, 包括此处所述的那些, 可用于获得结合亲和力的测量值, 包括例如 Biacore、放射免疫测定法 (RIA) 与 ELISA。

[0112] 此外, 本发明抗体的 K_d 值可以根据所用具体测定法的条件而不同。例如, 在一个实施方案中, 结合亲和力的测定可以在下述测定法中实现, 其中固定 Fab 或抗体, 并且测定配体 (即 D 因子) 的结合, 或者固定 Fab 或抗体的配体 (即 D 因子), 并且测定 Fab 或抗体的结合。在一个实施方案中, 结合亲和力的测定可以在下述测定法中实现, 其中再生条件可以包括 (1) pH 为 1.5, 10mM 甘氨酸或 4M MgCl_2 和 (2) pH 在 1.0 和 pH 7.5 之间, 包括 pH 1.5、pH 5.0、pH 6.0 和 pH 7.2。在一个实施方案中, 结合亲和力的测定可以用下述测定法实现, 其中结合条件可以包括 (1) PBS 或 HEPES 缓冲盐水和 (2) Tween-20, 即 0.1% Tween-20。在一个实施方案中, 结合亲和力的测定可以在下述测定法中实现, 其中配体 (即 D 因子) 的来源可以从市场上获得。在一个实施方案中, 结合亲和力的测定可以在下述测定法中实现, 其中 (1) 固定 Fab 或抗体并且测定配体 (即 D 因子) 的结合, (2) 再生条件包括 pH 7.2, 4M MgCl_2 和 (3) 结合条件包括 HEPES 缓冲盐水, pH 7.2, 含有 0.1% Tween-20。在一个实施方案中, 结合亲和力的测定可以在下述测定法中实现, 其中 (1) 固定配体 (即 D 因子) 并且测定 Fab 或抗体的结合, (2) 再生条件包括 pH 1.5, 10mM 甘氨酸和 (3) 结合条件包括 PBS 缓冲液。

[0113] 术语“细胞”、“细胞系”和“细胞培养物”包括子代。也应理解,由于有意或无意的突变,所有子代也许在 DNA 内容上不精确相同。在原始转化细胞中筛选出的具有相同功能或生物活性的不同子代也被包括在内。本发明所用的“宿主细胞”通常是原核或真核宿主。

[0114] 术语“载体”指含有 DNA 序列的 DNA 构建物,该 DNA 序列与能使该 DNA 在合适宿主中表达的合适的调控序列操作性连接。所述调控序列包括实现转录的启动子、控制该转录的任选的操纵子序列、编码合适的 mRNA 核糖体结合位点的序列、以及控制转录和翻译终止的序列。载体可以是质粒、噬菌体颗粒、或简单地是潜在的基因组插入物。一旦转化到合适宿主中,该载体能不依赖于宿主基因组进行复制和起作用,或在一些情况下,其本身整合入基因组中。在本说明书中,“质粒”和“载体”有时可互换使用,因为质粒是目前最常用的载体形式。然而,本发明还包括具有等同功能的其它形式的载体,它们是本领域中已知的。

[0115] 此处所用的词语“标记物”指直接或间接与分子或蛋白质例如抗体偶联的可被检测的化合物或组合物。标记物自身可以被检测到(例如放射性同位素标记物或荧光标记物),或者,如果是酶标记物,它们可催化底物化合物或组合物发生可检测的化学转变。

[0116] 如此处所用的,“固相”指本发明抗体可粘附于其上的非水性基质。固相的例子在此包括:部分或完全由玻璃(例如可控多孔玻璃)、多糖(例如琼脂糖)、聚丙烯酰胺、聚苯乙烯、聚乙烯醇和硅氧烷形成的固相。在某些实施方案中,根据上下文,固相可包括测试板的孔;而在其它实例中是纯化柱(例如亲和层析柱)。

[0117] 抗体的制备

[0118] 宿主细胞的选择和转化

[0119] 此处用于克隆或在载体中表达 DNA 的合适的宿主细胞为原核细胞、酵母细胞或更高等的真核细胞。用于此目的合适的原核生物包括革兰氏阴性和革兰氏阳性生物,例如肠细菌如大肠杆菌 (*E. coli*)、肠杆菌属 (*Enterobacter*)、欧文氏菌属 (*Erwinia*)、克雷伯氏杆菌属 (*Klebsiella*)、变形杆菌属 (*Proteus*)、沙门氏菌属 (*Salmonella*)、沙雷氏菌属 (*Serratia*) 和志贺氏菌属 (*Shigella*),以及芽孢杆菌属 (*Bacilli*)、假单胞菌属 (*Pseudomonas*) 和链霉菌属 (*Streptomyces*)。一个优选的大肠杆菌克隆宿主为大肠杆菌 294(ATCC 31,446),虽然其他菌株如大肠杆菌 B、大肠杆菌 X1776(ATCC 31,537) 以及大肠杆菌 W3110(ATCC 27,325) 也合适。这些例子为示例性的而不是限制性的。

[0120] 除原核生物之外,真核微生物如丝状真菌或酵母为抗体-编码载体的合适克隆或表达宿主。酿酒酵母 (*Saccharomyces cerevisiae*) 在较低级的真核宿主微生物当中为最常使用的。然而,许多其他属、种和菌株通常可获得并在本发明中有用,如非洲粟酒裂殖酵母 (*Schizosaccharomyces pombe*) ;克卢费氏酵母 (*Kluyveromyces*) ;假丝酵母 (*Candida*) ;木霉 (*Trichoderma*) ;粗糙链孢 (*Neurospora crassa*) ;以及丝状真菌如脉孢菌 (*Neurospora*)、青霉 (*Penicillium*)、弯颈霉属 (*Tolypocladium*) 和曲霉属 (*Aspergillus*) 宿主,如构巢曲霉 (*A. nidulans*) 和黑曲霉 (*A. niger*)。

[0121] 用于糖基化抗体表达的合适的宿主细胞源自多细胞生物。原则上,任何高级真核细胞培养物都是可使用的,无论其来自脊椎动物或是无脊椎动物培养物。无脊椎动物细胞的例子包括植物和昆虫细胞, Luckow 等, *Bio/Technology* 6, 47-55 (1988); Miller 等, *Genetic Engineering*, Setlow 等 编辑, 第 8 卷, 277-279 页 (Plenum publishing 1986); Mseda 等, *Nature* 315, 592-594 (1985)。各种杆状病毒株和变体和来自如草地夜

蛾 (caterpillar)、埃及伊蚊 (mosquito)、黑尾果蝇 (fruitfly) 和家蚕宿主的相应的可感染昆虫宿主细胞已被鉴定。用于转染的各种病毒株 (例如,苜蓿丫纹夜蛾 (Autographa californica) NPV 的 L-1 变体和家蚕 NPV 的 Bm-5 株) 是公众可获得的,这些病毒可用作本发明中所述的病毒,尤其可用于转染草地夜蛾细胞。另外,也可用棉、玉米、土豆、大豆、矮牵牛、西红柿和烟草的植物细胞培养物作为宿主。

[0122] 脊椎动物细胞在培养 (组织培养) 中的繁殖已经成为常规手段。参见 *Tissue Culture*, Academic Press, Kruse 和 Patterson 编辑 (1973)。有用的哺乳动物宿主细胞系例子是:猴肾细胞;人胚肾细胞系;乳仓鼠肾细胞;中国仓鼠卵巢细胞 /-DHFR (CHO, Urlaub 等, *Proc. Natl. Acad. Sci. USA*, 77 :4216 (1980));小鼠足细胞;人宫颈癌细胞 (HELA);犬肾细胞;人肺细胞;人肝细胞;小鼠乳房肿瘤和 NS0 细胞。

[0123] 为了生产抗体用上述载体转化宿主细胞,并将宿主细胞培养在常规的营养培养基中,培养基经适当修改以适合诱导启动子、选择转化子或扩增编码所需序列的基因。

[0124] 用于产生本发明抗体变体的宿主细胞可以在各种培养基中培养。商业上可获得的培养基如 Ham's F10 (Sigma)、最低必需培养基 (MEM) (Sigma)、RPMI-1640 (Sigma)、和 Dulbecco 改进 Eagle 培养基 (DMEM, Sigma) 适用于培养宿主细胞。此外, Ham 等, *Meth. Enz.*, 58 :44 (1979), Barnes 等, *Anal. Biochem.*, 102 :255 (1980), 美国专利 No. 4,767,704; 4,657,866; 4,560,655; 5,122,469; 5,712,163 或 6,048,728 中所述的任一培养基可用作 (本发明) 宿主细胞的培养基。所有这些培养基中可以按需添加入激素和 / 或其它生长因子 (如胰岛素、转铁蛋白或表皮生长因子)、盐 (如 X 氯化物, 其中 X 是钠、钙、镁; 和磷酸盐)、缓冲剂 (如 HEPES)、核苷酸 (如腺苷和胸苷)、抗生素 (如 GENTAMYCIN TM 药)、微量元素 (定义为最终浓度通常在微摩尔范围内的无机化合物) 以及葡萄糖或等价能源。另外也可加入合适浓度的本领域技术人员已知的其它必需补充物。培养条件,如温度、pH 等,与前述选择宿主细胞表达时所用条件一样,这对本领域普通技术人员来说是显而易见的。

[0125] 抗体纯化

[0126] 当采用重组技术时,抗体可产生在细胞内 (周质空间内) 或被直接分泌到培养基中。如果抗体突变体产生在细胞内,则第一步是除去宿主细胞或裂解片段的颗粒碎片,例如通过离心或超离心除去。Carter 等, *Bio/Technology* 10 :163-167 (1992) 描述了分泌入大肠杆菌周质空间的抗体的分离过程。简言之,在乙酸钠 (pH3.5)、EDTA 和苯甲基磺酰氟 (PMSF) 存在下融解细胞浆状物约 30 分钟。离心除去细胞碎片。若抗体突变体被分泌到培养基中,则通常首先用商业上购得的蛋白浓缩滤膜 (例如 Amicon 或 Millipore Pellicon 超滤装置) 浓缩该表达系统的上清液。在前述任何步骤中均可加入抑制蛋白水解的蛋白酶抑制剂 (如 PMSF),还可加入抗生素来防止外来污染物的生长。

[0127] 例如,可用羟基磷灰石层析、凝胶电泳、透析和亲和层析来纯化从细胞中制得的抗体组合物,其中亲和层析是优选的纯化方法。蛋白 A 作为亲和配体的合适性取决于抗体突变体中免疫球蛋白 Fc 区的种类和同种型。蛋白 A 可用来纯化以人 IgG1、IgG2 或 IgG4 重链为基础的抗体 (Lindmark 等, *J. Immunol. Meth.* 62 :1-13 (1983))。对于所有小鼠同种型和人 IgG3,建议采用蛋白 G (Guss 等, *EMBO J.* 5 :1567-1575 (1986))。亲和配体附着的基质通常是琼脂糖,但是也可采用其它基质。机械上稳定的基质,如控制孔径的玻璃或聚 (苯乙烯二乙烯基) 苯能达到比琼脂糖更快的流速,并使操作时间缩短。当抗体突变体包含 CH3 区

时,可用 Bakerbond ABXTM 树脂 (J. T. Baker, Phillipsburg, NJ) 来纯化。根据待回收的抗体突变体,还可采用其它蛋白纯化方法,如在离子交换柱上分级分离、乙醇沉淀、反向 HPLC、硅胶层析、肝素 SEPHAROSE™ 层析、阴离子或阳离子交换树脂 (如聚天冬氨酸柱) 层析、聚丙烯酰胺凝胶电泳 (SDS-PAGE) 和硫酸铵沉淀。

[0128] 在初步纯化后,可对包含目的抗体突变体和污染物的混合物进行低 pH 疏水作用层析,采用 pH 约 2.5-4.5 的洗脱缓冲液,最好是在低盐浓度 (如约 0-0.25M 盐浓度) 下进行。

[0129] 药物制剂

[0130] 将具有所需纯度的多肽与本领域中通常采用的任选的“药学上可接受”载体、赋形剂或稳定剂 (所有这些均称为“赋形剂”) 例如缓冲剂、稳定剂、防腐剂、等渗剂、非离子性洗涤剂、抗氧化剂和其它各种添加剂) (参见 Remington's Pharmaceutical Sciences, 16 版, 0sol, A. 编辑 (1980) 混合, 制成多肽或抗体的药物制剂, 以用于作为冻干制剂或水性溶液保藏。这些添加剂必须在所采用的剂量和浓度下对接受者没有毒性。

[0131] 缓冲剂有助于将 pH 维持在大致为生理条件的范围内。缓冲剂的浓度最好在大约 2mM 至 50mM 内。适用于本发明的缓冲剂包括有机和无机酸及其盐,例如柠檬酸盐缓冲液 (例如柠檬酸单钠 - 柠檬酸二钠混合物、柠檬酸 - 柠檬酸三钠混合物、柠檬酸 - 柠檬酸单钠混合物等)、琥珀酸盐缓冲液 (例如琥珀酸 - 琥珀酸单钠混合物、琥珀酸 - 氢氧化钠混合物、琥珀酸 - 琥珀酸二钠混合物等)、酒石酸盐缓冲液 (例如酒石酸 - 酒石酸钠混合物、酒石酸 - 酒石酸钾混合物、酒石酸 - 氢氧化钠混合物等)、延胡索酸盐缓冲液 (例如延胡索酸 - 延胡索酸单钠混合物)、延胡索酸盐缓冲液 (例如延胡索酸 - 延胡索酸钠混合物、延胡索酸 - 延胡索酸二钠混合物、延胡索酸单钠 - 延胡索酸二钠混合物等)、葡萄糖酸盐缓冲液 (例如葡萄糖酸 - 葡萄糖酸钠混合物、葡萄糖酸 - 氢氧化钠混合物、葡萄糖酸 - 葡萄糖酸钾混合物等)、草酸盐缓冲液 (例如草酸 - 草酸钠混合物、草酸 - 氢氧化钠混合物、草酸 - 草酸钾混合物等)、乳酸盐缓冲液 (例如乳酸 - 乳酸钠混合物、乳酸 - 氢氧化钠混合物、乳酸 - 乳酸钾混合物等)、以及乙酸盐缓冲液 (例如乙酸 - 乙酸钠混合物、乙酸 - 氢氧化钠混合物等)。另外,也可以是磷酸盐缓冲液、组氨酸缓冲液和三甲胺如 (Tris)。

[0132] 加入防腐剂以阻止微生物生长,加入量在 0.2-1% (w/v) 范围内。用于本发明的合适的防腐剂包括苯酚、苯甲醇、间甲酚、对羟苯甲酸甲酯、对羟苯甲酸丙酯、十八烷基二甲基苯基氯化铵、苯扎溴 (例如氯、溴、碘) 铵、氯化己烷双胺、对羟苯甲酸烷酯 (如对羟苯甲酸甲酯或对羟苯甲酸丙酯)、邻苯二酚、间苯二酚、环己醇和 3- 戊醇。

[0133] 等渗剂有时称为“稳定剂”,可以添加以确保本发明的液体组合物的等渗性,其包括多羟基糖醇,优选三羟或更多羟基的糖醇,例如甘油、丁四醇、阿糖醇、木糖醇、山梨糖醇和甘露糖醇。

[0134] 稳定剂指广义的赋形剂,其功能从填充剂到溶解治疗剂或有助于防止变性或粘附在容器壁上的添加剂。典型的稳定剂可以是多羟基糖醇 (如上所述);氨基酸,如精氨酸、赖氨酸、甘氨酸、谷氨酰胺、天冬酰胺、组氨酸、丙氨酸、鸟氨酸、L- 亮氨酸、2- 苯基丙氨酸、谷氨酰胺、苏氨酸等;有机糖或糖醇,如乳糖、海藻糖、木苏糖、甘露糖、山梨糖醇、木糖醇、核糖醇、肌醇、半乳糖醇、甘油等,包括环多醇如环己六醇;聚乙二醇;氨基酸聚合物;含硫还原剂,如尿素、谷胱甘肽、硫辛酸、巯基乙酸钠、硫代甘油、α - 单硫代甘油和硫代硫酸钠;低分

子量多肽（即小于 10 个残基）；蛋白质，如人血清白蛋白、牛血清白蛋白、明胶或免疫球蛋白；亲水性聚合物，如聚乙烯吡咯烷酮单糖（单糖是例如木糖、甘露糖、果糖、葡萄糖）；二糖如乳糖、麦芽糖、蔗糖和三糖如蜜三糖；多糖如葡聚糖。稳定剂的含量范围为每份重量活性蛋白中有 0.1-10,000 重量份。

[0135] 添加非离子表面活性剂或洗涤剂（也称为“润湿剂”）有助于溶解治疗剂以及保护治疗剂避免受搅动引起的凝集，它还使得当制剂暴露于遭受应力的剪切表面时不会引起蛋白变性。合适的非离子表面活性剂包括聚山梨醇酯（20、80 等）、polyoxamer（184、188 等）、Pluronic. RTM. 多元醇、聚氧乙烯山梨糖醇单醚（吐温. RTM. -20、吐温. RTM. -80 等）。非离子性表面活性剂的含量约为 0.05mg/ml 至 1.0mg/ml，较佳的约 0.07mg/ml 至约 0.2mg/ml。

[0136] 其它各种赋形剂包括填充剂（如淀粉）、螯合剂（如 EDTA）、抗氧化剂（如抗坏血酸、甲硫氨酸、维生素 E）和共溶剂。本发明的制剂还含有待治疗特定适应症所需的多种活性化合物，优选相互间没有不利影响的有互补活性的那些化合物。例如，理想地还可以提供免疫抑制剂。这些分子适于以组合形式存在，其量对期望的目的有效。在胶态药物递送系统（例如，脂质体、白蛋白微珠、微乳剂、纳颗粒和纳胶囊）或巨乳剂中，活性组分还可被包裹在例如通过团聚技术或界面聚合制得的微胶囊（例如羟甲基纤维素或明胶微囊和聚（甲基丙烯酸甲酯）微囊）中。这些技术公开在 Remington's Pharmaceutical Sciences, 16 版（1980），A. Osol 编辑。

[0137] 用于体内给药的制剂必须无菌。这很容易例如通过无菌滤膜过滤来实现。可以制得缓释制剂。缓释制剂的合适例子包括含有抗体突变体的固体疏水聚合物半渗透基质，其中所述基质是成形制品，如薄膜或微胶囊。缓释基质的例子包括聚酯、水凝胶（例如，聚（甲基丙烯酸 2-羟基乙酯）或聚（乙烯醇））、聚交酯（美国专利号 3,773,919）、L-谷氨酸和 L-谷氨酸乙酯的共聚物、不能降解的乙烯乙酸乙烯酯、可降解的乳酸-羟基乙酸共聚物如 LUPRON DEPOTTM（由乳酸-羟基乙酸共聚物和乙酸亮丙瑞林组成的可注射的微珠）和聚-D-(-)-3-羟基丁酸。尽管聚合物例如乙烯乙酸乙烯酯和乳酸-羟基乙酸能够在 100 天内持续释放分子，但是某些水凝胶释放蛋白的时间却较短。当包裹在胶囊内的抗体长时间停留在体内时，它们会由于暴露在 37°C 潮湿环境下而变性或凝聚，从而导致生物活性丧失，且免疫原性可能会改变。可以根据涉及的机理来设计合理策略加以稳定。例如，如果发现凝聚的机理是通过硫代-二硫键互换而形成了分子间 S-S 键，则可通过修饰巯基残基、从酸性溶液中冻干、控制含水量、采用合适的添加剂和开发特定的聚合物基质组合物来达到稳定性。

[0138] 在治疗特定疾病或状况中，治疗性多肽、抗体或其片段的有效量将取决于疾病或状况的性质，并且能用标准临床技术来确定。在可能的时候，希望首先在体外测定本发明药物组合物的剂量-反应曲线，然后在人体内测试前在有用的动物模型系统中测定。

[0139] 在一优选的实施方案中，通过皮下注射给予治疗性多肽、抗体或其片段的水溶液。每剂的范围在大约 0.5 μg 至 50 μg/ 千克体重，或更优选从 3 μg 至约 30 μg/ 千克体重。

[0140] 皮下给药的剂量方案可以从一月一次到每日一次，这取决于许多临床因素，包括疾病类型、疾病严重程度以及患者对治疗剂的敏感程度。

[0141] 人源化抗体的应用

[0142] 本发明的人源化抗体可用于诊断实验，例如检测特定细胞、组织或血清中感兴趣

靶的表达。对于诊断性应用,抗体突变体通常用可检测基团作标记。可采用许多标记物。定量测定荧光变化的技术如上所述。化学发光底物通过化学反应被电激发,然后可发出可测定(例如通过化学发光计)的光或提供能量给荧光接受器。酶标记物的例子包括萤光素酶(如萤火虫萤光素酶和细菌萤光素酶;美国专利号4,737,456)、萤光素、2,3-二氢酞噪二酮、苹果酸脱氢酶、脲酶、过氧化物酶(如辣根过氧化物酶(HRPO))、碱性磷酸酶、 β -半乳糖苷酶、葡糖淀粉酶、溶菌酶、糖氧化酶(例如,葡糖氧化酶、半乳糖氧化酶和葡萄糖-6-磷酸脱氢酶)、杂环氧化酶(如尿酸酶和黄嘌呤氧化酶)、乳过氧化物酶、微过氧化物酶等。O'Sullivan等,Method for the Preparation of Enzyme-Antibody Conjugates for use in Enzyme Immunoassay, Methods in Enzym. (Ed. J. Langone&H. Van Vunakis), Academic press, New York, 73:147-166(1981)中将描述了将酶偶联于抗体的技术。

[0143] 有时,标记可以与抗体变体间接偶联。本领域技术人员应该知道实现这一目的的各种方法。例如,抗体变体可以与生物素偶联,而上述三大类标记物则与亲和素偶联,或两者互换。生物素选择性地结合亲和素,从而通过这一间接方式将标记物和抗体变体偶联起来。或者,为了间接地偶联标记物和抗体变体,可使抗体变体与小的半抗原(如洋地黄毒苷(digoxin))偶联,而上述不同类型的标记物中的一种则与抗该半抗原的抗体变体(如抗洋地黄毒苷抗体)偶联。这样,就间接地将标记物和抗体变体偶联起来。

[0144] 在本发明的另一个实施方案中,不标记抗体变体,该抗体变体的存在可用与之结合的标记的抗体来检测。

[0145] 本发明的抗体可用于任何已知的实验方法,如竞争性结合实验,直接和间接夹心实验和免疫沉淀实验。Zola, Monoclonal Antibodies :A Manual of Techniques), 147-158页(CRC Press, Inc. 1987)。

[0146] 竞争性结合实验依赖于标记的标准品与测试样品竞争结合有限量抗体变体的能力。测试样品中靶的量与结合抗体的标准品的量成反比。为了便于确定已结合的标准品的量,抗体通常在竞争前后为不溶性的。这样就能方便地将已结合抗体的标准品和测试样品从仍未结合的标准品和测试样品中分离出来。

[0147] 夹心实验包括采用两种抗体,每种抗体能结合待检测蛋白的不同的免疫原性部分或表位。在夹心测定法中,待分析的测试样品与固定在固相载体上的第一抗体结合,然后,第二抗体与测试样品结合,从而形成了不溶性的三组分复合物。例如见美国专利号4,376,110。第二抗体本身可用可检测物质标记(直接夹心测定法),或可利用标记了可检测物质的抗免疫球蛋白抗体来测定(间接夹心测定法)。例如,一类夹心测定法是ELISA测定法,在该种情况下,可检测物是酶。

[0148] 对于免疫组织化学,肿瘤样品可以是新鲜的或冷冻的,或可包埋在石蜡中并用防腐剂(例如福尔马林)来固定。

[0149] 抗体也可用于体内诊断实验。通常,抗体用放射性核素(如.¹¹¹In、⁹⁹Tc、¹⁴C、¹³¹I、³H、³²P或³⁵S)标记,这样通过免疫闪烁显影可确定肿瘤的位置。例如,本发明的高亲和力抗-IgE抗体可用于检测存在于例如哮喘患者肺中IgE的量。

[0150] 本发明的多肽或抗体可以试剂盒形式提供,即,将预定剂量的试剂与进行诊断实验的说明书组合包装。当抗体变体用酶标记时,试剂盒将包括酶所需的底物和辅因子(如

提供可检测的发色团或荧光团的底物前体)。另外,还可包括其它添加剂,如稳定剂、缓冲液(如封闭缓冲液或裂解缓冲液)等。各种试剂的相对量可以变化很大,使得提供的溶液中试剂浓度能使实验的灵敏度基本上达到最优。特别是,试剂可以干粉形式(通常是冻干的)提供,包括在溶解时能提供浓度合适的试剂溶液的赋形剂。

[0151] 抗体的体内应用

[0152] 预期本发明的多肽或抗体可用来治疗哺乳动物。例如在一个实施方案中,将抗体给予非人哺乳动物以获得临床前数据。示例性的待治疗非人哺乳动物包括非人的灵长类、狗、猫、啮齿类动物和其它能进行临床前研究的哺乳动物。所述哺乳动物可以是已经建立的待用抗体来治疗的疾病动物模型,或者可用来研究目的抗体毒性的动物模型。在每个实施方案中,可在哺乳动物中进行剂量逐步增加的研究。

[0153] 抗体或多肽可通过任何合适的方法施用,包括肠胃外、皮下、腹膜内、肺内、和鼻内给药,如果需要局部免疫抑制治疗,可以在病变区内施用。胃肠外输注包括肌内、静脉内、动脉内、腹膜内、或皮下施用。另外,抗体突变体可通过脉冲注入的方式施用,特别是伴随减少抗体突变体的剂量。优选通过注射施用药物剂量,最优选是静脉内或皮下注射施用,这部分地取决于是瞬时施用还是不断地施用。

[0154] 为了预防或治疗疾病,抗体或多肽的合适剂量取决于待治疗疾病的类型、疾病的严重程度和病程、给予抗体突变体是出于预防目的还是治疗目的、以往的治疗、患者的临床病史以及对抗体的反应、和治疗医师的判断。

[0155] 根据疾病的类型和严重程度,无论是通过例如一次或多次分开施用还是连续输注,施用于患者的抗体初始候选剂量大约是0.1mg/kg至150mg/kg(例如0.1-20mg/kg)。根据上述因素,典型的每日剂量可以在大约1mg/kg至100mg/kg或以上的范围内。对于几天或更长时间内的重复施用,根据病征,应维持治疗直至疾病症状受到所需的抑制。然而,可采用其它剂量方案。这种治疗的进程很容易用常规技术和实验来监测。示例性的剂量方案公开在W094/04188中。

[0156] 抗体组合物可以与良好的医学实践相一致的方式配制、按剂量给药或施用。在本文上下文中考虑的因素包括待治疗的特定的疾病、待治疗的特定的哺乳动物、患者个体的临床状况、病因、递送试剂的部位、施用方法、施用方案以及医生所知的其它因素。所施用的抗体的“治疗有效量”将由这些考虑因素决定,并且是预防、改进或治疗疾病或失调所需的最少量。抗体不需要但任选地可以与目前使用的一种或多种试剂配制在一起,以预防或治疗所讨论的疾病。所述其他试剂的有效量取决于制剂中抗体的量、疾病或治疗的类型、以及上述的其它因素。这些试剂的用量和施用途径通常和上文所用的相同,或者约为上文所用剂量的1-99%。

[0157] 识别D因子作为其靶的本发明抗体可用于治疗补体介导的病症。这些病症与过度的或不受控制的补体激活有关。它们包括:心肺体外循环期间的补体激活;急性心肌梗塞、动脉瘤、中风、出血性休克、挤压伤、多器官衰竭、低血容量性休克、肠局部缺血后的局部缺血再灌注引起的补体激活。病症还可以包括的疾病或病情为炎症病情,如严重烧伤、内毒素血症、脓毒性休克、成人呼吸窘迫综合征、血液透析、过敏性休克、严重哮喘、血管性水肿、克罗恩氏病、镰刀形红细胞贫血病、链球菌感染后肾小球肾炎和胰腺炎。所述病症可以是不良药物反应、药物过敏、IL-2诱导的血管渗漏综合症或放射摄影造影剂过敏的结果。所述病

症还包括自身免疫性疾病如全身性红斑狼疮、重症肌无力、类风湿性关节炎、阿尔茨海默氏病和多发性硬化。补体激活还与移植排斥有关。最近已表明补体激活和眼病如年龄相关的黄斑变性,糖尿病性视网膜病之间强烈相关。

实施例

- [0158] 提供下列实施例进行说明,而非进行限制。
- [0159] 实施例 1 :D 因子小鼠 MAb166-32 的人源化。
- [0160] 将小鼠 mAb166-32 的重链可变区 (V_H) 和轻链可变区 (V_L) 序列与公共数据库中可利用的人抗体系序列比较。在如上述步骤 1 中确定模板时使用一些标准,包括全长、框架区内类似的 CDR 位点、整体同源性、CDR 的大小等。所有这些标准一起提供结果用于选择最优的人模板,如 166-32MAb 重链和轻链序列与图 3 和 4 中描述的各个人模板序列之间的序列比对所示。
- [0161] 在这种情况下,用多个人框架模板设计所述抗体。选择用于 V_H 链的人模板为 VI-4. 1b+(7-04. 1 基因座) (登录号 #X62110) (VH7 家族) 与 JH4d (参见图 3) 的组合。选择用于 V_L 链的人模板为 DPK4 (VK I 家族) 与 JK2 的组合 (参见图 4)。
- [0162] 一旦选择了模板,通过 DNA 合成与重叠 PCR 构建 Fab 文库。文库由用各自选择的人模板合成的 MAb 166-32CDR 组成。编码部分 V_H 与 V_L 序列的重叠核苷酸在约 63 至约 76 个核苷酸范围内被合成,其具有 18 至 21 个核苷酸重叠。构建表达抗 D 因子抗原的人源化 Fab 文库的载体,并且转化入大肠杆菌 DH10B 中,随后在 XL-1B 细菌菌苔上铺板。
- [0163] 用规模 (独立克隆的数目) 和多样性 (突变体的分布) 来评估文库质量。具有轻链和重链双插入的单个克隆在测序的 20 个中为约 14 个。框架摆动突变体均匀分布。
- [0164] PCR 扩增 V_L 和 V_H 基因,利用包含框架区 FR1 的序列和与前导序列末端退火的突出端序列 (Gene III) 的生物素化正向引物,以及来自保守恒定区 (C_k 或 $CH1$) 的反向引物,在标准 PCR 条件下进行。通过琼脂糖凝胶电泳或通过商业的 PCR 纯化试剂盒纯化 PCR 产物以去除未反应的生物素化引物和非特异性 PCR。
- [0165] 实施例 2 :文库筛选
- [0166] 用捕获过滤挖出法 (Capture Filter Lift) 进行初步筛选。实际的筛选规模比理论文库的规模大 3 倍。候选者进一步通过单点 ELISA 实验筛选。基于 Fab 浓度,利用 D 因子直接抗原滴定法进一步确定最好的结合剂。
- [0167] 捕获挖出筛选
- [0168] 用捕获过滤挖出法进行 Fab 结合 D 因子的初步筛选。高效价的噬菌体在 37°C 中植于平皿中并且孵育直至使用 (约 6-8 小时)。山羊抗 - 人 κ 在 10ml PBST 中稀释至 10 μ g/ml;根据标准的斑点挖取流程制备用于挖取斑点的硝酸纤维素滤膜,随后浸入振荡器上的 10ml 封闭缓冲液中 2 小时。滤膜用 PBST 漂洗 3 次。滤膜用于斑点菌苔并且在 RT 孵育大约 15-24 小时。随后从平皿移去滤膜并且用 TBST 漂洗 3 次。
- [0169] D 因子 (50 μ g/ml) 在 PBST 中稀释至 0.1 μ g/ml 并且每个滤膜添加 4ml。滤膜在振荡器上溶液中 RT 孵育 2 小时,随后漂洗 3 次,每次 5 分钟。稀释的 166-222-HRP (用 PBST 以 1:10,000 稀释) 以每个滤膜 4ml 的体积添加并且在振荡器上温育 1 小时。滤膜漂洗 4 次。干燥滤膜并随后浸入 TMB 底物中,接着浸入水中以终止反应。鉴定阳性克隆。

[0170] 实施例 3 :单点 ELISA 筛选

[0171] 用单点 ELISA 实验进行第二次筛选。用山羊抗 - 人 Fab 包被 Immulon II 平皿 (1 :12,000, 50 μ l / 孔) , RT 过夜。第二天用平皿洗涤剂洗涤平皿 4 次。以每孔 100 μ l 的体积添加封闭缓冲液并且平皿在 RT 孵育 1 小时。随后洗涤平皿 4 次。

[0172] 所要筛选的每种 Fab 以每孔 50 μ l 的体积添加 (或者来自 15ml 周质制备物或上清) 并且在 RT 温育 1 小时。洗涤平皿 4 次, 随后添加 0.01 μ g/ml 的 50 μ l / 孔生物素化的 D 因子。在 RT 孵育平皿 1 小时后洗涤 4 次。添加链亲和素 -HRP (PBST 中 1 : 10,000) 并且在 RT 温育 1 小时。洗涤平皿 5 次, 随后通过以 50 μ l / 孔添加 TMB 底物而显影。当其很好地显影 (10-45 分钟) 时添加 50 μ l 体积的终止缓冲液并且在 450nm 读取平皿。

[0173] 实施例 4 :人源化抗 D 因子克隆的测序

[0174] 对与人 D 因子具有良好结合亲和力的 16 个人源化克隆测序 (参见表 1)。这当中, 轻链中的位点 2(100% 人) 和 49(100% 小鼠) 和重链中的位点 93(100% 小鼠) 为高度保守的, 表明其对于维持抗体的结合能力很重要。

[0175] 表 1. 来自人源化文库的人源化克隆的氨基酸序列分析

[0176]

VK	2	4	13	43	49	64	69	VH	2	9	38	93	97
鼠	T	V	M	P	S	S	A		I	P	K	T	E
人	I	M	A	V	Y	G	T		V	S	R	V	A
7	I	M	M	V	S	S	T		I	P	K	V	E
30	I	V	A	V	S	S	A		V	P	K	T	E
45	I	V	M	V	S	G	A		I	S	R	V	E
46	I	V	M	V	S	S	T		I	S	R	V	E
47	I	V	A	V	S	S	T		I	S	R	V	E
48	I	V	M	V	S	S	T		V	P	R	V	E
50	I	V	M	V	S	G	A		V	P	R	T	E
51	I	M	M	V	S	G	T		I	S	K	T	E
56	I	V	A	V	S	G	T		V	P	K	T	E
57	I	M	M	V	S	S	A		V	S	R	V	E
58	I	V	M	P	S	G	A		V	P	R	V	E
59	I	V	A	P	S	S	T		V	P	K	V	E

60	I	V	M	P	S	G	T		V	P	R	V	E
63	I	V	M	V	S	S	T		V	S	R	T	E
74	I	V	M	V	S	S	T		I	S	R	V	E

[0177] 通过 BIACore 分析和溶血抑制实验评估克隆 #56。BIACore 分析表明克隆 #56 具有与嵌合的 166-32Fab 类似的对人 D 因子的亲和力（参见表 4）。溶血抑制实验表明克隆 #56 比嵌合的 166-32Fab 更加有效力（参见图 6）。克隆 #56 含有轻链框架中的两个小鼠残基以及重链中的四个小鼠残基（参见表 1）。基于这些结果，进行进一步的优化。

[0178] 表 2. 来自人源化 /CDR3 优化文库的优化抗体的氨基酸序列分析

[0179]

VK 位置	2	4	13	43	49	64	69	CDR-L3	92	93	97	
166-32	T	V	M	P	S	S	A		D	N	T	
人模版	I	M	A	V	Y	G	T					
104	I	V	M	P	S	S	T		D	S	T	
109	I	V	A	V	S	G	A		M	N	T	
111	I	V	A	V	S	G	T		D	S	T	
112	I	V	A	V	S	G	T		D	S	T	
114	I	V	A	V	S	G	T		D	C	T	
121	I	V	A	V	S	S	A		D	N	T	
125	I	V	A	P	S	S	T		D	N	T	
130	I	V	A	V	S	S	T		D	N	S	

[0180]

VH 位置	2	9	38	93	97	CDR-H3	98	99	100
166-32	I	P	K	T	E		V	D	N
人模版	V	S	R	V	A				
104	V	S	R	V	E		V	D	T
109	V	S	R	V	E		V	N	N
111	V	S	R	V	E		V	N	N
112	V	S	R	V	E		V	N	N
114	V	S	K	V	E		V	N	N
121	I	S	R	V	E		V	N	T
125	V	S	R	V	E		P	D	N
130	V	S	R	V	E		V	D	H

[0181] 通过 BIACore 分析表征克隆 #111 和 #114 (参见表 4)。克隆 #104、#111、#114 和 #130 还通过溶血抑制实验来表征 (参见图 6)。这些克隆具有比嵌合的 166-32 更高的亲和力, 并且如通过溶血抑制实验所示, 对抑制旁路途径比嵌合的 Fab 更有效 (图 7)。克隆 #111 含有与克隆 #56 相同的两个轻链中的小鼠残基 (位点 4 和 49)。如克隆 #56 中发现的, 其在重链位点 97 处也含有保守的小鼠残基。克隆 #111 的轻链和重链中均存在一个有益的突变。从两个独立的筛选文库 (人源化文库和人源化 /CDR3 优化文库), 发现最好克隆具有类似的共有序列残基。

[0182] 为了进一步优化克隆 #111 的亲和力, 通过将单突变同时引入 CDR-H1 和 CDR-L2 中来构建抗体文库。简言之, 通过将编码单突变的寡核苷酸退火至克隆 #111 的模板, 用定点诱变方法构建所述文库。对人 D 因子具有很高亲和力的总共 24 个克隆被测序。在这 24 个克隆当中, 鉴定一些冗余有益突变。选择克隆 #250、#315、#345 和 #416 用于 BIACore 分析 (参见表 4)。BIACore 数据表明这些克隆比原始克隆 #111 对人 D 因子的亲和力更高。克隆 #250、#315、#348 和 #416 也在溶血抑制实验中 (参见图 6) 和旁路途径的抑制中 (图 7) 测试。

[0183] 实施例 5 :AP 溶血实验

[0184] 利用溶血抑制实验和 BIACore 分析测定人源化克隆的生物学功能 (参见以下实施例 6)。根据下列流程进行溶血实验。从 20ml 盐水 (0.9% NaCl) 中 1:20 稀释的兔红血细胞 (RRBC) (0.5ml+9.5ml GVB/Mg-EGTA 缓冲液) (大约 1:2×10⁴稀释), 取 20 μl 通过 Coulter 计数器计数。细胞浓度随后调整至约 2-5×10⁴细胞 / ml。每个平皿接受约 500×10⁶ / 平皿 RRBC 或约 1ml RRBC / 平皿 (500×10⁶/2-5×10⁴)。

[0185] 细胞稀释于 6ml GVB/Mg-EGTA 缓冲液 / 平皿, 在 4°C 以 1360rpm×4 分钟离心而混合并洗涤 3 次。RRBC 小团沉淀物悬浮于 3ml GVB/Mg-EGTA 缓冲液 / 平皿中并且保存于冰上。

[0186] 在使用之前融解来自 -80°C 冰箱的人血清。血清稀释于 GVB/Mg-EGTA 缓冲液中至

20%的浓度,5ml/ 平皿 (最终为 10%) 并且保存于冰上。

[0187] 表 3

[0188]

	1	2	3	S	SB
GVB/Mg-EGTA:	50 ul				
mAb: 50 ul混合 20% 人血清	50 ul	50 ul	50 ul	-----	-----
	50 ul				
在 5-6°C 振荡 30 秒, 然后置于 RT 7 分钟					
兔 RBC :	30ul	30 ul	30 ul		30 ul

[0189] 样品在 5-6°C 振荡 30 秒且随后在 37°C 振荡 40 分钟。样品在振荡时冷却至 5-6°C 且随后在 4°C, 2,000rpm 离心 3 分钟。转移大约 80 μ l 上清液至平底 96 孔平皿并且利用标准的平皿读数器读取 590nm 的 OD 值。如下计算抑制百分比 :% 抑制 = $\{[(S-SB)-(U-SB)]/(S-SB)\} \times 100\%$ 。 (U = 样品 1、2 或 3 (分别为表 3 的第 1、2 或 3 列))。

[0190] 实施例 6 :通过 BiaCore 动力学分析抗 - 人 D 因子 Fab

[0191] 固定 :人 D 因子 (Advanced Research Inc, 0.1mg/ml) 利用胺 - 偶联方法直接固定在 CM5 芯片上 (BiaCore)。流程简要描述如下 : (1) 恒流 (PBS) 为 5 μ l/min。 (2) 注入 35 μ l EDC/NHS (1 : 1)。 (3) 注入 pH 4.5 的 35 μ l 乙酸盐缓冲液中的人 D 因子。 (4) 注入 35 μ l 乙醇胺阻断激活的组。 (5) 用 5 μ l pH 1.5 的 10mM 甘氨酸净化表面。配体 (人 D 因子) 固定水平为约 1,000RU。利用 α 人 D 因子 (huDi, 40 μ l, 31.5 μ g/ml) 检验产生约 900RU 的相对应答。

[0192] 动力学分析 :所有抗 - 人 D 因子 Fab 稀释于 PBS 缓冲液中。每个样品用连续稀释的方式制备 :12.5nM、25nM、50nM、75nM、100nM、125nM 和 150nM, 以高采集率的 40 μ l 脉冲注入。通过施加 5 μ l pH 1.5 的 10mM 甘氨酸脉冲实现再生。通过在拟一阶动力学下利用 BIAevaluation 3.0 版本将 Fab 结合痕迹拟合至 1 : 1 结合模型而获得动力学参数。结果在以下表 4 中呈现。通过全局拟合程序获得所有的数据。

[0193] 表 4BIAcore 结果

[0194] Fab 克隆

[0195]

Fab 克隆	ka (M-1s-1)	kd (s-1)	Kd (M)
抗 D 因子 Fab 315	7.1×10^5	2.7×10^{-4}	3.7×10^{-10}
抗 D 因子 Fab 416	8.2×10^5	1.8×10^{-4}	3.3×10^{-10}
抗 D 因子 Fab 345	6.8×10^5	3.5×10^{-4}	5.1×10^{-10}
抗 D 因子 Fab 250	5.7×10^5	1.9×10^{-4}	3.3×10^{-10}
抗 D 因子 Fab 56	3.6×10^5	9.8×10^{-4}	2.7×10^{-9}
嵌合	4.4×10^5	1.2×10^{-3}	2.7×10^{-9}
抗 D 因子 Fab 111	3.3×10^5	3.7×10^{-4}	1.14×10^{-9}

[0196] 本领域技术人员将认识到或仅仅利用常规实验能够确定此处所述的本发明具体实施方案的许多等同方案。所述等同方案由下列权利要求所涵盖。

[0001]

Sequence Listing
序列表

<110> 健泰科生物技术公司
 <120> 人源化的抗-人D因子单克隆抗体及其应用
 <130> P4028R1 WO
 <150> US 60/856,505
 <151> 2006-11-02
 <160> 58
 <170> PatentIn version 3.4
 <210> 1
 <211> 115
 <212> PRT
 <213> 人工的
 <220>
 <223> MAB 166-32的重链可变区
 <400> 1

Gln	Ile	Gln	Leu	Val	Gln	Ser	Gly	Pro	Glu	Leu	Lys	Lys	Pro	Gly	Glu
1				5					10				15		

Thr	Val	Lys	Ile	Ser	Cys	Lys	Ala	Ser	Gly	Tyr	Thr	Phe	Thr	Asn	Tyr
20					25					30					

Gly	Met	Asn	Trp	Val	Lys	Gln	Ala	Pro	Gly	Lys	Gly	Leu	Lys	Trp	Met
35					40					45					

Gly	Trp	Ile	Asn	Thr	Tyr	Thr	Gly	Glu	Thr	Thr	Tyr	Ala	Asp	Asp	Phe
50				55					60						

Lys	Gly	Arg	Phe	Val	Phe	Ser	Leu	Glu	Thr	Ser	Ala	Ser	Thr	Ala	Tyr
65					70				75					80	

Leu	Glu	Ile	Asn	Asn	Leu	Lys	Asn	Glu	Asp	Met	Ala	Thr	Tyr	Phe	Cys
	85					90							95		

Glu	Arg	Glu	Gly	Gly	Val	Asp	Asn	Trp	Gly	Gln	Gly	Thr	Thr	Leu	Thr
100						105						110			

Val	Ser	Ser													
	115														

<210> 2
 <211> 107
 <212> PRT
 <213> 人工的
 <220>
 <223> MAB 166-32的轻链可变区
 <400> 2

Glu Thr Thr Val Thr Gln Ser Pro Ala Ser Leu Ser Met Ala Ile Gly

[0002]

1	5	10	15
Glu Lys Val Thr Ile Arg Cys Ile Thr Ser Thr Asp Ile Asp Asp Asp			
20	25	30	
Met Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Glu Pro Pro Lys Leu Leu Ile			
35	40	45	
Ser Gly Gly Asn Thr Leu Arg Pro Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Ser			
50	55	60	
Ser Gly Tyr Gly Ala Asp Phe Val Phe Thr Ile Asp Asn Met Leu Ser			
65	70	75	80
Glu Asp Val Ala Asp Tyr Tyr Cys Leu Gln Ser Asp Asn Leu Pro Tyr			
85	90	95	
Thr Phe Gly Gly Gly Thr Arg Leu Glu Ile Lys			
100	105		
<210> 3			
<211> 345			
<212> DNA			
<213> 人工的			
<220>			
<223> MAB 166-32的重链可变区			
<400> 3			
cagatccagt tggcgcagtc tggacctgag ctgaagaagc ctggagagac agtcaagatc	60		
tcctgcaagg cttctggta tacttcaca aactatggaa tgaactgggt gaagcaggct	120		
ccaggaaagg gtttaaagtg gatgggctgg ataaacacct acactggaga gacaacatat	180		
gctgatgact tcaagggacg gtttgccttc tctttggaaa cctctgccag cactgcctat	240		
ttggagatca acaacctcaa aaatgaggac atggctacat atttctgtga aagagagggg	300		
ggggttgaca actggggcca aggcaccact ctcacagtct cctca	345		
<210> 4			
<211> 321			
<212> DNA			
<213> 人工的			
<220>			
<223> MAB 166-32的轻链可变区			
<400> 4			
gaaacaactg tgacccagtc tcctgcattc ctgtccatgg ctataggaga aaaagtccacc	60		
atcagatgca taaccagcac tgatattgat gatgatatga actggatcca gcagaagccca	120		
ggggAACCTC ctaagctcct tatttcagga ggcaatactc ttcgtcctgg agtcccatcc	180		
cgattctcca gcagtggcta tggcgcagat tttgtttta caattgacaa catgctctca	240		
gaagatgttg cagattacta ctgtttgcaa agtgataact tgccgtacac gttcggaggg	300		

[0003]

gggaccaggc tggaaataaa a

321

<210> 5
 <211> 107
 <212> PRT
 <213> 人工的
 <220>
 <223> 人源化克隆#56的轻链可变区

<400> 5

Asp Ile Gln Val Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Val Arg
 1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Ile Thr Ser Thr Asp Ile Asp Asp Asp
 20 25 30

Met Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Val Pro Lys Leu Leu Ile
 35 40 45

Ser Gly Gly Asn Thr Leu Arg Pro Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
 50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
 65 70 75 80

Glu Asp Val Ala Thr Tyr Cys Leu Gln Ser Asp Asn Leu Pro Tyr
 85 90 95

Thr Phe Gly Gln Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys
 100 105

<210> 6
 <211> 115
 <212> PRT
 <213> 人工的
 <220>
 <223> 人源化克隆#56的重链可变区

<400> 6

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Pro Glu Leu Lys Lys Pro Gly Ala
 1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Thr Phe Thr Asn Tyr
 20 25 30

Gly Met Asn Trp Val Lys Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met
 35 40 45

Gly Trp Ile Asn Thr Tyr Thr Gly Glu Thr Thr Tyr Ala Asp Asp Phe
 50 55 60

Lys Gly Arg Phe Val Phe Ser Leu Asp Thr Ser Val Ser Thr Ala Tyr
 65 70 75 80

[0004]

Leu Gln Ile Ser Ser Leu Lys Ala Glu Asp Thr Ala Thr Tyr Tyr Cys
85 90 95

Glu Arg Glu Gly Gly Val Asp Asn Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr
100 105 110

Val Ser Ser
115

<210> 7
<211> 107
<212> PRT
<213> 人工的

<220>
<223> 人源化克隆#111的轻链可变区

<400> 7

Asp Ile Gln Val Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Ile Thr Ser Thr Asp Ile Asp Asp Asp
20 25 30

Met Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Val Pro Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Ser Gly Gly Asn Thr Leu Arg Pro Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65 70 75 80

Glu Asp Val Ala Thr Tyr Tyr Cys Leu Gln Ser Asp Ser Leu Pro Tyr
85 90 95

Thr Phe Gly Gln Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys
100 105

<210> 8
<211> 115
<212> PRT
<213> 人工的

<220>
<223> 人源化克隆# 111的重链可变区

<400> 8

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Pro Glu Leu Lys Lys Pro Gly Ala
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Thr Phe Thr Asn Tyr
20 25 30

[0005]

Gly Met Asn Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met
35 40 45

Gly Trp Ile Asn Thr Tyr Thr Gly Glu Thr Thr Tyr Ala Asp Asp Phe
50 55 60

Lys Gly Arg Phe Val Phe Ser Leu Asp Thr Ser Val Ser Thr Ala Tyr
65 70 75 80

Leu Gln Ile Ser Ser Leu Lys Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
85 90 95

Glu Arg Glu Gly Gly Val Asn Asn Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr
100 105 110

Val Ser Ser
115

<210> 9

<211> 107

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 人源化克隆#250的轻链可变区

<400> 9

Asp Ile Gln Val Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Ile Thr Ser Thr Asp Ile Asp Asp Asp
20 25 30

Met Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Val Pro Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Ser His Gly Asn Thr Leu Arg Pro Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65 70 75 80

Glu Asp Val Ala Thr Tyr Tyr Cys Leu Gln Ser Asp Ser Leu Pro Tyr
85 90 95

Thr Phe Gly Gln Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys
100 105

<210> 10

<211> 115

<212> PRT

<213> 人工的

[0006]

<220>

<223> 人源化克隆#250的重链可变区

<400> 10

Gln	Val	Gln	Leu	Val	Gln	Ser	Gly	Pro	Glu	Leu	Lys	Lys	Pro	Gly	Ala
1				5					10					15	

Ser	Val	Lys	Val	Ser	Cys	Lys	Ala	Ser	Gly	Tyr	Thr	Phe	Thr	Asn	Tyr
		20				25				30					

Gly	Leu	Asn	Trp	Val	Arg	Gln	Ala	Pro	Gly	Gln	Gly	Leu	Glu	Trp	Met
		35			40					45					

Gly	Trp	Ile	Asn	Thr	Tyr	Thr	Gly	Glu	Thr	Thr	Tyr	Ala	Asp	Asp	Phe
	50			55					60						

Lys	Gly	Arg	Phe	Val	Phe	Ser	Leu	Asp	Thr	Ser	Val	Ser	Thr	Ala	Tyr
65				70					75					80	

Leu	Gln	Ile	Ser	Ser	Leu	Lys	Ala	Glu	Asp	Thr	Ala	Val	Tyr	Tyr	Cys
			85					90					95		

Glu	Arg	Glu	Gly	Gly	Val	Asn	Asn	Trp	Gly	Gln	Gly	Thr	Leu	Val	Thr
		100				105							110		

Val	Ser	Ser													
		115													

<210> 11

<211> 107

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 人源化克隆#416的轻链可变区

<400> 11

Asp	Ile	Gln	Val	Thr	Gln	Ser	Pro	Ser	Ser	Leu	Ser	Ala	Ser	Val	Gly
1				5					10				15		

Asp	Arg	Val	Thr	Ile	Thr	Cys	Ile	Thr	Ser	Thr	Asp	Ile	Asp	Asp	Asp
		20			25					30					

Met	Asn	Trp	Tyr	Gln	Gln	Lys	Pro	Gly	Lys	Val	Pro	Lys	Leu	Leu	Ile
		35				40					45				

Ser	Asp	Gly	Asn	Thr	Leu	Arg	Pro	Gly	Val	Pro	Ser	Arg	Phe	Ser	Gly
	50				55					60					

Ser	Gly	Ser	Gly	Thr	Asp	Phe	Thr	Leu	Thr	Ile	Ser	Ser	Leu	Gln	Pro
65				70				75					80		

[0007]

Glu Asp Val Ala Thr Tyr Tyr Cys Leu Gln Ser Asp Ser Leu Pro Tyr
85 90 95

Thr Phe Gly Gln Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys
100 105

<210> 12
<211> 115
<212> PRT
<213> 人工的

<220>
<223> 人源化克隆#416的重链可变区

<400> 12

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Pro Glu Leu Lys Lys Pro Gly Ala
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Thr Phe Thr Ser Tyr
20 25 30

Gly Met Asn Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met
35 40 45

Gly Trp Ile Asn Thr Tyr Thr Gly Glu Thr Thr Tyr Ala Asp Asp Phe
50 55 60

Lys Gly Arg Phe Val Phe Ser Leu Asp Thr Ser Val Ser Thr Ala Tyr
65 70 75 80

Leu Gln Ile Ser Ser Leu Lys Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
85 90 95

Glu Arg Glu Gly Gly Val Asn Asn Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr
100 105 110

Val Ser Ser
115

<210> 13
<211> 10
<212> PRT
<213> 人工的

<220>
<223> MAB 166-32的CDR-H1

<400> 13

Gly Tyr Thr Phe Thr Asn Tyr Gly Met Asn
1 5 10

<210> 14
<211> 19
<212> PRT
<213> 人工的

[0008]

<220>

<223> MAB 166-32的CDR-H2

<400> 14

Trp	Met	Gly	Trp	Ile	Asn	Thr	Tyr	Thr	Gly	Glu	Thr	Thr	Tyr	Ala	Asp
1				5					10				15		

Asp Phe Lys

<210> 15

<211> 6

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> MAB 166-32的CDR-H3

<400> 15

Glu	Gly	Gly	Val	Asp	Asn
1			5		

<210> 16

<211> 11

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> MAB 166-32的CDR-L1

<400> 16

Ile	Thr	Ser	Thr	Asp	Ile	Asp	Asp	Asp	Met	Asn
1			5						10	

<210> 17

<211> 7

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> MAB 166-32的CDR-L2

<400> 17

Gly	Gly	Asn	Thr	Leu	Arg	Pro
1			5			

<210> 18

<211> 9

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> MAB 166-32的CDR-L3

<400> 18

Leu	Gln	Ser	Asp	Asn	Leu	Pro	Tyr	Thr
1			5					

[0009]

<210> 19
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> 人工的

<220>
 <223> 人源化克隆#111的CDR-L3

<400> 19

Leu Gln Ser Asp Ser Leu Pro Tyr Thr
 1 5

<210> 20
 <211> 6
 <212> PRT
 <213> 人工的

<220>
 <223> 人源化克隆#111的CDR-H3

<400> 20

Glu Gly Gly Val Asn Asn
 1 5

<210> 21
 <211> 7
 <212> PRT
 <213> 人工的

<220>
 <223> 人源化克隆#250的CDR-L2

<400> 21

His Gly Asn Thr Leu Arg Pro
 1 5

<210> 22
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> 人工的

<220>
 <223> 人源化克隆#250的CDR-L3

<400> 22

Leu Gln Ser Asp Ser Leu Pro Tyr Thr
 1 5

<210> 23
 <211> 10
 <212> PRT
 <213> 人工的

<220>
 <223> 人源化克隆#250的CDR-H1

<400> 23

[0010]

Gly Tyr Thr Phe Thr Asn Tyr Gly Leu Asn
1 5 10

<210> 24
<211> 7
<212> PRT
<213> 人工的
<220>
<223> 人源化克隆#416的CDR-L2
<400> 24

Asp Gly Asn Thr Leu Arg Pro
1 5

<210> 25
<211> 10
<212> PRT
<213> 人工的
<220>
<223> 人源化克隆#416的CDR-H1
<400> 25

Gly Tyr Thr Phe Thr Ser Tyr Gly Met Asn
1 5 10

<210> 26
<211> 107
<212> PRT
<213> 人工的
<220>
<223> 人源化克隆的可变轻链合成物

<220>
<221> misc_feature
<222> (4)..(4)
<223> Xaa 可以是任何天然发生的氨基酸

<220>
<221> misc_feature
<222> (13)..(13)
<223> Xaa 可以是任何天然发生的氨基酸

<220>
<221> misc_feature
<222> (43)..(43)
<223> Xaa 可以是任何天然发生的氨基酸

<220>
<221> misc_feature
<222> (49)..(49)
<223> Xaa 可以是任何天然发生的氨基酸

<220>
<221> misc_feature
<222> (64)..(64)
<223> Xaa 可以是任何天然发生的氨基酸

<220>
<221> misc_feature

[0011]

<222> (69)..(69)

<223> Xaa 可以是任何天然发生的氨基酸

<400> 26

Asp Ile Gln Xaa Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Xaa Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Ile Thr Ser Thr Asp Ile Asp Asp Asp
20 25 30

Met Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Xaa Pro Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Xaa Asp Gly Asn Thr Leu Arg Pro Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Xaa
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Xaa Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65 70 75 80

Glu Asp Val Ala Thr Tyr Tyr Cys Leu Gln Ser Asp Ser Leu Pro Tyr
85 90 95

Thr Phe Gly Gln Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys
100 105

<210> 27

<211> 115

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 人源化克隆的可变重链合成物

<220>

<221> misc_feature

<222> (2)..(2)

<223> Xaa 可以是任何天然发生的氨基酸

<220>

<221> misc_feature

<222> (9)..(9)

<223> Xaa 可以是任何天然发生的氨基酸

<220>

<221> misc_feature

<222> (38)..(38)

<223> Xaa 可以是任何天然发生的氨基酸

<220>

<221> misc_feature

<222> (93)..(93)

<223> Xaa 可以是任何天然发生的氨基酸

<220>

<221> misc_feature

<222> (97)..(97)

<223> Xaa 可以是任何天然发生的氨基酸

<400> 27

[0012]

Gln Xaa Gln Leu Val Gln Ser Gly Xaa Glu Leu Lys Lys Pro Gly Ala
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Thr Phe Thr Ser Tyr
20 25 30

Gly Met Asn Trp Val Xaa Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met
35 40 45

Gly Trp Ile Asn Thr Tyr Thr Gly Glu Thr Thr Tyr Ala Asp Asp Phe
50 55 60

Lys Gly Arg Phe Val Phe Ser Leu Asp Thr Ser Val Ser Thr Ala Tyr
65 70 75 80

Leu Gln Ile Ser Ser Leu Lys Ala Glu Asp Thr Ala Xaa Tyr Tyr Cys
85 90 95

Xaa Arg Glu Gly Gly Val Asn Asn Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr
100 105 110

Val Ser Ser
115

<210> 28

<211> 87

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 序列是合成的

<400> 28

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ala
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Thr Phe Thr Trp Val
20 25 30

Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met Gly Arg Val Thr Ile
35 40 45

Thr Ala Asp Thr Ser Thr Ser Thr Ala Tyr Met Glu Leu Ser Ser Leu
50 55 60

Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ala Arg Trp Gly Gln Gly
65 70 75 80

Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
85

<210> 29

[0013]

<211> 81
 <212> PRT
 <213> 人工的

<220>
 <223> 序列是合成的

<400> 29

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ala
 1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly
 20 25 30

Gln Gly Leu Glu Trp Met Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Thr Ser Thr
 35 40 45

Ser Thr Ala Tyr Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala
 50 55 60

Val Tyr Tyr Cys Ala Arg Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser
 65 70 75 80

Ser

<210> 30
 <211> 80
 <212> PRT
 <213> 人工的

<220>
 <223> 序列是合成的

<400> 30

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ala
 1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly
 20 25 30

Gln Gly Leu Glu Trp Met Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Thr Ser Thr
 35 40 45

Ser Thr Ala Tyr Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala
 50 55 60

Val Tyr Tyr Cys Ala Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
 65 70 75 80

<210> 31
 <211> 79
 <212> PRT
 <213> 人工的

[0014]

<220>

<223> 序列是合成的

<400> 31

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ala
 1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly
 20 25 30

Gln Gly Leu Glu Trp Met Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Thr Ser Thr
 35 40 45

Ser Thr Ala Tyr Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala
 50 55 60

Val Tyr Tyr Cys Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
 65 70 75

<210> 32

<211> 87

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 序列是合成的

<400> 32

Gln Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Gln
 1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Val Ser Trp Ile
 20 25 30

Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile Gly Arg Val Thr Ile
 35 40 45

Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val
 50 55 60

Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ala Arg Trp Gly Gln Gly
 65 70 75 80

Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
 85

<210> 33

<211> 81

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 序列是合成的

<400> 33

[0015]

Gln Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Gln
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly
20 25 30

Lys Gly Leu Glu Trp Ile Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys
35 40 45

Asn Gln Phe Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala
50 55 60

Val Tyr Tyr Cys Ala Arg Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser
65 70 75 80

Ser

<210> 34

<211> 80

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 序列是合成的

<400> 34

Gln Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Gln
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly
20 25 30

Lys Gly Leu Glu Trp Ile Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys
35 40 45

Asn Gln Phe Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala
50 55 60

Val Tyr Tyr Cys Ala Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
65 70 75 80

<210> 35

<211> 79

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 序列是合成的

<400> 35

Gln Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Gln
1 5 10 15

[0016]

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly
20 25 30

Lys Gly Leu Glu Trp Ile Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys
35 40 45

Asn Gln Phe Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala
50 55 60

Val Tyr Tyr Cys Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
65 70 75

<210> 36

<211> 87

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 序列是合成的

<400> 36

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Trp Val
20 25 30

Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val Ser Arg Phe Thr Ile
35 40 45

Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu
50 55 60

Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ala Arg Trp Gly Gln Gly
65 70 75 80

Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
85

<210> 37

<211> 81

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 序列是合成的

<400> 37

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly
20 25 30

[0017]

Lys Gly Leu Glu Trp Val Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys
35 40 45

Asn Thr Leu Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala
50 55 60

Val Tyr Tyr Cys Ala Arg Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser
65 70 75 80

Ser

<210> 38

<211> 80

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 序列是合成的

<400> 38

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly
20 25 30

Lys Gly Leu Glu Trp Val Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys
35 40 45

Asn Thr Leu Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala
50 55 60

Val Tyr Tyr Cys Ala Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
65 70 75 80

<210> 39

<211> 79

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 序列是合成的

<400> 39

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly
20 25 30

Lys Gly Leu Glu Trp Val Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys
35 40 45

[0018]

Asn Thr Leu Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala
50 55 60

Val Tyr Tyr Cys Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
65 70 75

<210> 40

<211> 87

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 序列是合成的

<400> 40

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Asn Ile Lys Trp Val
20 25 30

Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val Ser Arg Phe Thr Ile
35 40 45

Ser Ala Asp Thr Ser Lys Asn Thr Ala Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu
50 55 60

Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ser Arg Trp Gly Gln Gly
65 70 75 80

Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
85

<210> 41

<211> 81

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 序列是合成的

<400> 41

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly
20 25 30

Lys Gly Leu Glu Trp Val Arg Phe Thr Ile Ser Ala Asp Thr Ser Lys
35 40 45

Asn Thr Ala Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala
50 55 60

[0019]

Val Tyr Tyr Cys Ser Arg Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser
65 70 75 80

Ser

<210> 42
<211> 80
<212> PRT
<213> 人工的

<220>
<223> 序列是合成的

<400> 42

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly
20 25 30

Lys Gly Leu Glu Trp Val Arg Phe Thr Ile Ser Ala Asp Thr Ser Lys
35 40 45

Asn Thr Ala Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala
50 55 60

Val Tyr Tyr Cys Ser Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
65 70 75 80

<210> 43
<211> 87
<212> PRT
<213> 人工的

<220>
<223> 序列是合成的

<400> 43

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Asn Ile Lys Trp Val
20 25 30

Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val Ser Arg Phe Thr Ile
35 40 45

Ser Ala Asp Thr Ser Lys Asn Thr Ala Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu
50 55 60

Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ala Arg Trp Gly Gln Gly
65 70 75 80

[0020]

Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
85

<210> 44
<211> 81
<212> PRT
<213> 人工的

<220>
<223> 序列是合成的

<400> 44

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly
20 25 30

Lys Gly Leu Glu Trp Val Arg Phe Thr Ile Ser Ala Asp Thr Ser Lys
35 40 45

Asn Thr Ala Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala
50 55 60

Val Tyr Tyr Cys Ala Arg Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser
65 70 75 80

Ser

<210> 45
<211> 80
<212> PRT
<213> 人工的

<220>
<223> 序列是合成的

<400> 45

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly
20 25 30

Lys Gly Leu Glu Trp Val Arg Phe Thr Ile Ser Ala Asp Thr Ser Lys
35 40 45

Asn Thr Ala Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala
50 55 60

Val Tyr Tyr Cys Ala Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
65 70 75 80

[0021]

<210> 46
 <211> 79
 <212> PRT
 <213> 人工的

 <220>
 <223> 序列是合成的

 <400> 46

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
 1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly
 20 25 30

Lys Gly Leu Glu Trp Val Arg Phe Thr Ile Ser Ala Asp Thr Ser Lys
 35 40 45

Asn Thr Ala Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala
 50 55 60

Val Tyr Tyr Cys Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
 65 70 75

<210> 47
 <211> 80
 <212> PRT
 <213> 人工的

<220>
 <223> 序列是合成的

<400> 47

Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Val Gly
 1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala
 20 25 30

Pro Lys Leu Leu Ile Tyr Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Ser Gly
 35 40 45

Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro Glu Asp
 50 55 60

Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Phe Gly Gln Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
 65 70 75 80

<210> 48
 <211> 80
 <212> PRT
 <213> 人工的

<220>
 <223> 序列是合成的

[0022]

<400> 48

Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Leu Ser Leu Pro Val Thr Pro Gly
1 5 10 15

Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Trp Tyr Leu Gln Lys Pro Gly Gln Ser
20 25 30

Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Gly Val Pro Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly
35 40 45

Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Lys Ile Ser Arg Val Glu Ala Glu Asp
50 55 60

Val Gly Val Tyr Tyr Cys Phe Gly Gln Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
65 70 75 80

<210> 49

<211> 80

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 序列是合成的

<400> 49

Glu Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Gly Thr Leu Ser Leu Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala
20 25 30

Pro Arg Leu Leu Ile Tyr Gly Ile Pro Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly
35 40 45

Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Arg Leu Glu Pro Glu Asp
50 55 60

Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Phe Gly Gln Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
65 70 75 80

<210> 50

<211> 80

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 序列是合成的

<400> 50

Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Asp Ser Leu Ala Val Ser Leu Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Ile Asn Cys Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Pro

[0023]

20

25

30

Pro Lys Leu Leu Ile Tyr Gly Val Pro Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly
 35 40 45

Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Ala Glu Asp
 50 55 60

Val Ala Val Tyr Tyr Cys Phe Gly Gln Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
 65 70 75 80

<210> 51

<211> 31

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 序列是合成的

<400> 51

Arg Phe Val Phe Ser Leu Asp Thr Ser Val Ser Thr Ala Tyr Leu Gln
 1 5 10 15

Ile Ser Ser Leu Lys Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ser
 20 25 30

<210> 52

<211> 32

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 序列是合成的

<400> 52

Arg Phe Val Phe Ser Leu Asp Thr Ser Val Ser Thr Ala Tyr Leu Gln
 1 5 10 15

Ile Ser Ser Leu Lys Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ser Arg
 20 25 30

<210> 53

<211> 10

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 序列是合成的

<400> 53

Phe Gly Gln Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
 1 5 10

<210> 54

<211> 10

<212> PRT

[0024]

<213> 人工的

<220>

<223> 序列是合成的

<220>

<221> misc_feature

<222> (7)..(7)

<223> Xaa 可以是任何天然发生的氨基酸

<400> 54

Phe Gly Gln Gly Thr Lys Xaa Glu Ile Lys
1 5 10

<210> 55

<211> 87

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 序列是合成的

<400> 55

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ser Glu Leu Lys Lys Pro Gly Ala
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Thr Phe Thr Trp Val
20 25 30

Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met Gly Arg Phe Val Phe
35 40 45

Ser Leu Asp Thr Ser Val Ser Thr Ala Tyr Leu Gln Ile Ser Ser Leu
50 55 60

Lys Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ala Arg Trp Gly Gln Gly
65 70 75 80

Thr Ser Leu Thr Val Ser Ser
85

<210> 56

<211> 81

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 序列是合成的

<400> 56

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ser Glu Leu Lys Lys Pro Gly Ala
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly
20 25 30

[0025]

Gln Gly Leu Glu Trp Met Arg Phe Val Phe Ser Leu Asp Thr Ser Val
35 40 45

Ser Thr Ala Tyr Leu Gln Ile Ser Ser Leu Lys Ala Glu Asp Thr Ala
50 55 60

Val Tyr Tyr Cys Ala Arg Trp Gly Gln Gly Thr Ser Leu Thr Val Ser
65 70 75 80

Ser

<210> 57

<211> 80

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 序列是合成的

<400> 57

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ser Glu Leu Lys Lys Pro Gly Ala
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly
20 25 30

Gln Gly Leu Glu Trp Met Arg Phe Val Phe Ser Leu Asp Thr Ser Val
35 40 45

Ser Thr Ala Tyr Leu Gln Ile Ser Ser Leu Lys Ala Glu Asp Thr Ala
50 55 60

Val Tyr Tyr Cys Ala Trp Gly Gln Gly Thr Ser Leu Thr Val Ser Ser
65 70 75 80

<210> 58

<211> 79

<212> PRT

<213> 人工的

<220>

<223> 序列是合成的

<400> 58

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ser Glu Leu Lys Lys Pro Gly Ala
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly
20 25 30

Gln Gly Leu Glu Trp Met Arg Phe Val Phe Ser Leu Asp Thr Ser Val
35 40 45

[0026]

Ser Thr Ala Tyr Leu Gln Ile Ser Ser Leu Lys Ala Glu Asp Thr Ala
50 55 60

Val Tyr Tyr Cys Trp Gly Gln Gly Thr Ser Leu Thr Val Ser Ser
65 70 75

小鼠MAb 166-32可变重链的氨基酸序列

QIQLVQSGPELKPGETVKISCKASGYTFTNYGMNWVKQAPGKGLKWMGWINT
YTGETTYADDFKGRFVFSLETSASTAYLEINNLKNEDMATYFCEREGGVDNWG
QGTTLTVSS (SEQ ID NO: 1)

图 1A

鼠MAb 166-32可变轻链的氨基酸序列

ETTVTQSPASLSMAIGEKVTIRCITSTDIDDDMNWYQQKPGEPKLLISGGNTLR
PGVPSRFSSSGYGYGADFVFTIDNMLSEDVADYYCLQSDNLPYTFGGGTRLEIK
(SEQ ID NO: 2)

图 1B

小鼠MAb 166-32重链可变区的核酸序列

Murine Nucleic Acid Sequence for Heavy Chain Variable Region of MAb 166-32

CAGATCCAGTTGGTGCAGTCTGGACCTGAGCTGAAGAAGCCTGGAGAGACA
GTCAAGATCTCCTGCAAGGCTTCTGGGTATAACCTCACAAACTATGGAATGA
ACTGGGTGAAGCAGGCTCCAGGAAAGGGTTAAAGTGGATGGCTGGATAA
ACACCTACACTGGAGAGACAACATATGCTGATGACTTCAAGGGACGGTTGT
CTTCTCTTGGAAACCTCTGCCAGCACTGCCTATTTGGAGATCAACAAACCTCA
AAAATGAGGACATGGCTACATATTCTGTGAAAGAGAGGGGGGGTTGACAA
CTGGGGCCAAGGCACCACTCTCACAGTCTCCTCA (SEQ ID NO: 3)

图 2A

小鼠MAb 166-32轻链可变区的核酸序列

GAAACAACTGTGACCCAGTCTCCTGCATCCCTGTCCATGGCTATAGGAGAAAA
AGTCACCATCAGATGCATAACCAGCACTGATATTGATGATGATATGAAC TG GT
ACCAGCAGAAGCCAGGGAACCTCCTAAGCTCCTTATTCAGGAGGCAATACT
CTTCGT CCTGGAGTCCC ATCCGATTCTCCAGCAGTGGCTATGGTGCAGATTT
GTTTTACAATTGACAACATGCTCTCAGAAGATGTTGCAGATTACTACTGTTG
CAAAGT GATAACTGCCGTACACGTTGGAGGGGGACCAGGCTGGAAATAA
AA (SEQ ID NO: 4)

图 2B

人重链模板与小鼠 MAb 166-32 的比较

Mu	166-32	1	Q X Q L V Q S G P E L K K P G E T V K I S C K A S	10	<u>G Y T F T N Y G M N W V X Q A P G K G L K W M G</u>	40
Hu	VI-4.1b+		<u>V</u> <u>X</u> <u>~</u>	<u>A S</u> <u>V</u>	<u>G Y T F T N Y G M N W V X Q A P G K G L K W M G</u>	
Mu	166-32	50	W I N T Y T G E T T Y A D D F K G R F V F S L E T S A S T A Y L E I N N L K N E D M A Y F C E R	60	80 82 a b c 83	90
Hu	VI-4.1b+		<u>W I N T Y T G N P T Y A Q G F T G</u>	<u>D</u> <u>V</u>	<u>Q</u> <u>S S</u> <u>A</u> <u>T</u> <u>V</u> <u>Y</u> <u>~</u>	
Mu.	166-32	95	<u>E G G V D N W G Q G T T L T V S S</u>	103	110	113
Hu	VI-4.1b+		<u>Y F D Y</u>	<u>L V</u>		

Kabat CDR: 下划线; 粗体/斜体: Chothia CDR1.

图 3

人轻链模板与小鼠 MAb 166-32 的比较

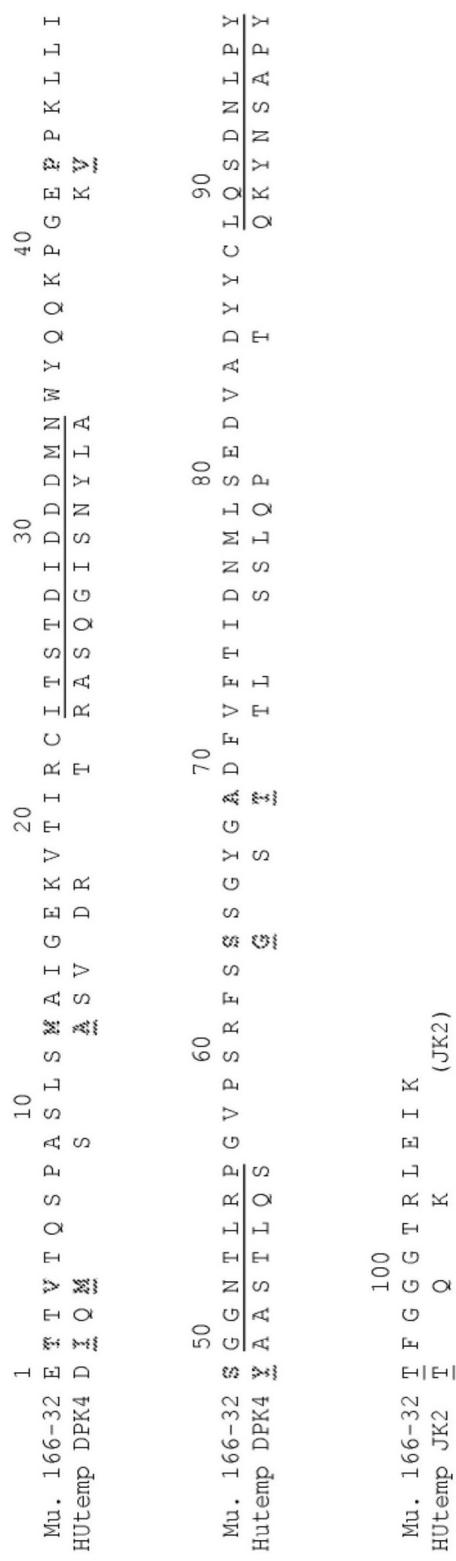


图 4

#56 VK

DIQVTQSPSSLSASVRDRVITCitstdidddmnWYQQKPGKVPKLLISggntlpGVPSRFSGSGSGTD
FTLTSSLQPEDVATYYClgsdnlpytFGQGTKLEIK

#56 VH

QVQLVQSGPELKPGASVKVSCKASgytftnygmnWVKQAPGQGLEwmgwintytgettyaddfkGRFVF
SLDTSVSTAYLQISSLKAEDTATYYCReggvdnWGQGTLTVSS

#111 VK

DIQVTQSPSSLSASVGDRVITCitstdidddmnWYQQKPGKVPKLLISggntlpGVPSRFSGSGSGTD
FTLTSSLQPEDVATYYClgsdslpytFGQGTKLEIK

#111 VH

QVQLVQSGPELKPGASVKVSCKASgytftnygmnWVRQAPGQGLEwmgwintytgettyaddfkGRFVF
SLDTSVSTAYLQISSLKAEDTAVYYCReggvnnWGQGTLTVSS

#250 VK

DIQVTQSPSSLSASVGDRVITCitstdidddmnWYQQKPGKVPKLLIShgntlpGVPSRFSGSGSGTD
FTLTSSLQPEDVATYYClgsdslpytFGQGTKLEIK

#250 VH

QVQLVQSGPELKPGASVKVSCKASgytftnyglnWVRQAPGQGLEwmgwintytgettyaddfkGRFVF
LDTSVSTAYLQISSLKAEDTAVYYCReggvnnWGQGTLTVSS

#416 VK

DIQVTQSPSSLSASVGDRVITCitstdidddmnWYQQKPGKVPKLLISdgntlpGVPSRFSGSGSGTD
FTLTSSLQPEDVATYYClgsdslpytFGQGTKLEIK

#416 VH

QVQLVQSGPELKPGASVKVSCKASgytftsygmnWVRQAPGQGLEwmgwintytgettyaddfkGRFVF
SLDTSVSTAYLQISSLKAEDTAVYYCReggvnnWGQGTLTVSS

图 5

优化的抗-FD HuFab抑制AP溶血作用

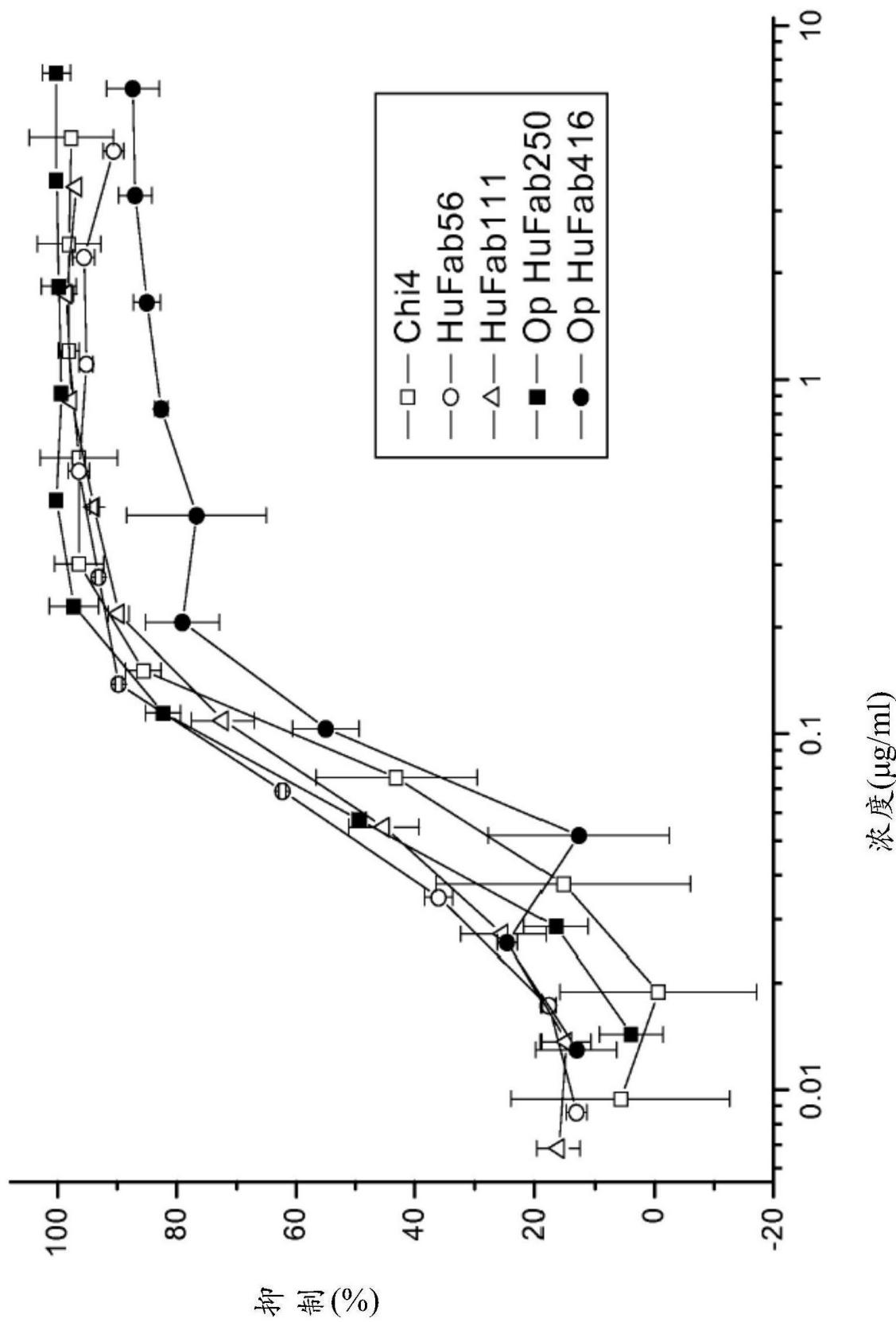
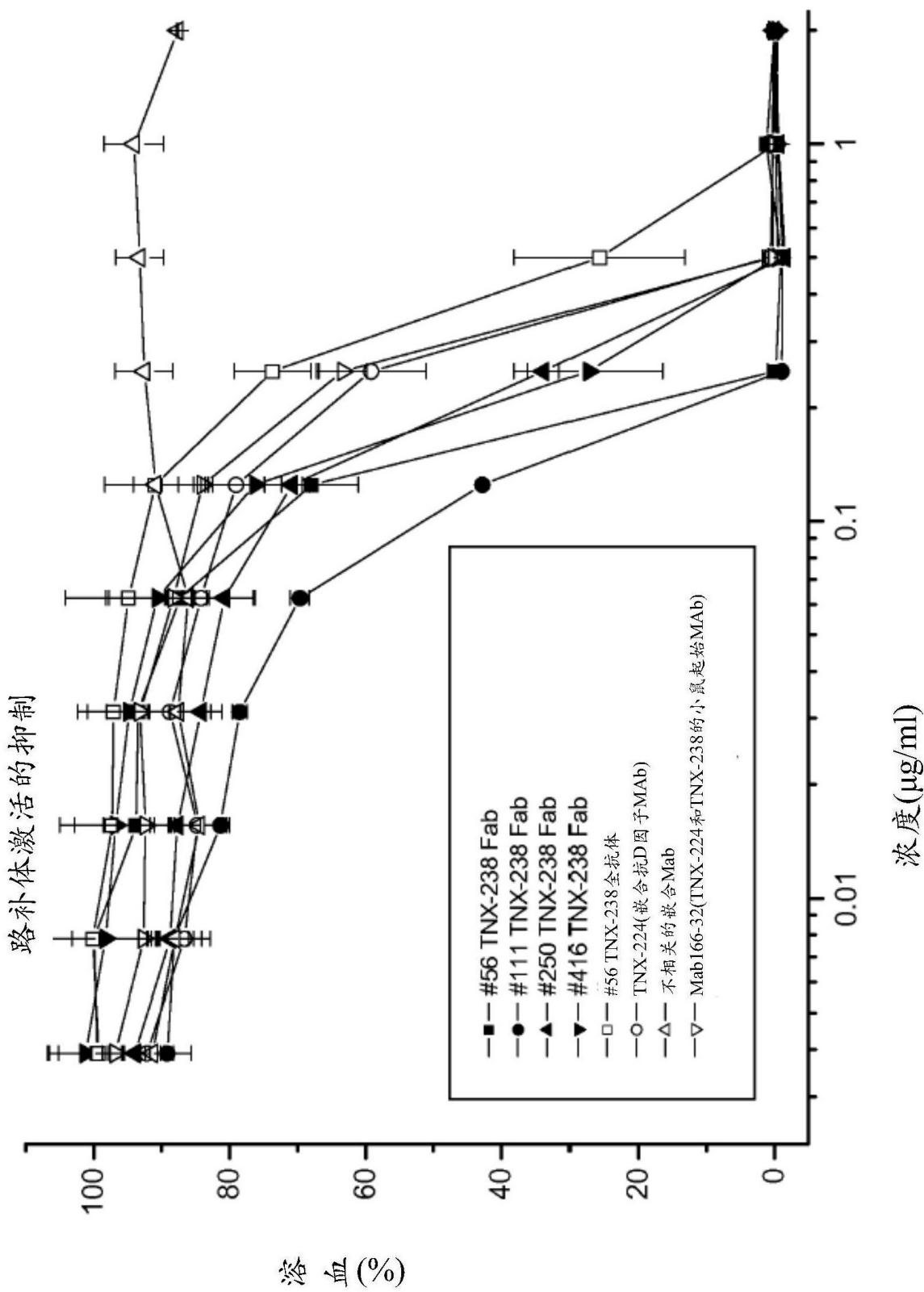


图 6

溶血测定法中不同的TNX-238人源化的Fab构建体对人血清旁路补体激活的抑制



I	A Q V Q L V Q S G A E V K K P G A S V K V S C K A S G Y T F T	-H1-	W V R Q A P G Q G L E W M G	-H2-
	B Q V Q L V Q S G A E V K K P G A S V K V S C K A S	-H1-	W V R Q A P G Q G L E W M	-H2-
	C Q V Q L V Q S G A E V K K P G A S V K V S C K A S	-H1-	W V R Q A P G Q G L E W M	-H2-
	D Q V Q L V Q S G A E V K K P G A S V K V S C K A S	-H1-	W V R Q A P G Q G L E W M	-H2-
II	A Q V Q L Q E S S G P G L V K P S Q T L S L T C T V S G G S V S	-H1-	W I R Q P P G K G L E W I G	-H2-
	B Q V Q L Q E S S G P G L V K P S Q T L S L T C T V S	-H1-	W I R Q P P G K G L E W I	-H2-
	C Q V Q L Q E S S G P G L V K P S Q T L S L T C T V S	-H1-	W I R Q P P G K G L E W I	-H2-
	D Q V Q L Q E S S G P G L V K P S Q T L S L T C T V S	-H1-	W I R Q P P G K G L E W I	-H2-
III	A E V Q L V E S S G G G L V Q P G G S L R L S C A A S G F T F S	-H1-	W V R Q A P G K G L E W V S	-H2-
	B E V Q L V E S S G G G L V Q P G G S L R L S C A A S	-H1-	W V R Q A P G K G L E W V	-H2-
	C E V Q L V E S S G G G L V Q P G G S L R L S C A A S	-H1-	W V R Q A P G K G L E W V	-H2-
	D E V Q L V E S S G G G L V Q P G G S L R L S C A A S	-H1-	W V R Q A P G K G L E W V	-H2-
VII	A Q V Q L V Q S G S E L K K P G A S V K V S C K A S G Y T F T	-H1-	W V R Q A P G Q G L E W M G	-H2-
	B Q V Q L V Q S G S E L K K P G A S V K V S C K A S	-H1-	W V R Q A P G Q G L E W M	-H2-
	C Q V Q L V Q S G S E L K K P G A S V K V S C K A S	-H1-	W V R Q A P G Q G L E W M	-H2-
	D Q V Q L V Q S G S E L K K P G A S V K V S C K A S	-H1-	W V R Q A P G Q G L E W M	-H2-
受者				
	A E V Q L V E S S G G G L V Q P G G S L R L S C A A S G F N I K	-H1-	W V R Q A P G K G L E W V S	-H2-
	B E V Q L V E S S G G G L V Q P G G S L R L S C A A S	-H1-	W V R Q A P G K G L E W V	-H2-
	C E V Q L V E S S G G G L V Q P G G S L R L S C A A S	-H1-	W V R Q A P G K G L E W V	-H2-
第二受者				
	A E V Q L V E S S G G G L V Q P G G S L R L S C A A S G F N I K	-H1-	W V R Q A P G K G L E W V S	-H2-
	B E V Q L V E S S G G G L V Q P G G S L R L S C A A S	-H1-	W V R Q A P G K G L E W V	-H2-
	C E V Q L V E S S G G G L V Q P G G S L R L S C A A S	-H1-	W V R Q A P G K G L E W V	-H2-
	D E V Q L V E S S G G G L V Q P G G S L R L S C A A S	-H1-	W V R Q A P G K G L E W V	-H2-

图 8A

R V T I S V D T S K N Q F S L K L S S V T A A D T A V Y Y C A R	-H3-	W G Q G T L V T V S S	SEQ ID NO: 28
R V T I S V D T S T A Y M E L L S L R S E D T A V Y Y C A R	-H3-	W G Q G T L V T V S S	SEQ ID NO: 29
R V T I S V D T S T A Y M E L L S L R S E D T A V Y Y C A	-H3-	W G Q G T L V T V S S	SEQ ID NO: 30
R V T I S V D T S T A Y M E L L S L R S E D T A V Y Y C	-H3-	W G Q G T L V T V S S	SEQ ID NO: 31
R F T I S R D N S K N T L Y L Q M N S L R A E D T A V Y Y C A R	-H3-	W G Q G T L V T V S S	SEQ ID NO: 32
R F T I S R D N S K N T L Y L Q M N S L R A E D T A V Y Y C A R	-H3-	W G Q G T L V T V S S	SEQ ID NO: 33
R F T I S R D N S K N T L Y L Q M N S L R A E D T A V Y Y C A	-H3-	W G Q G T L V T V S S	SEQ ID NO: 34
R F T I S R D N S K N T L Y L Q M N S L R A E D T A V Y Y C	-H3-	W G Q G T L V T V S S	SEQ ID NO: 35
R F V F S L D T S V S T A Y L Q I S S L K A E D T A V Y Y C A R	-H3-	W G Q G T S L T V S S	SEQ ID NO: 36
R F V F S L D T S V S T A Y L Q I S S L K A E D T A V Y Y C A R	-H3-	W G Q G T S L T V S S	SEQ ID NO: 37
R F V F S L D T S V S T A Y L Q I S S L K A E D T A V Y Y C A	-H3-	W G Q G T S L T V S S	SEQ ID NO: 38
R F V F S L D T S V S T A Y L Q I S S L K A E D T A V Y Y C	-H3-	W G Q G T S L T V S S	SEQ ID NO: 39
R F T I S A D T S K N T A Y L Q M N S L R A E D T A V Y Y C S R	-H3-	W G Q G T L V T V S S	SEQ ID NO: 40
R F T I S A D T S K N T A Y L Q M N S L R A E D T A V Y Y C S R	-H3-	W G Q G T L V T V S S	SEQ ID NO: 41
R F T I S A D T S K N T A Y L Q M N S L R A E D T A V Y Y C S	-H3-	W G Q G T L V T V S S	SEQ ID NO: 42
R F T I S A D T S K N T A Y L Q M N S L R A E D T A V Y Y C A R	-H3-	W G Q G T L V T V S S	SEQ ID NO: 43
R F T I S A D T S K N T A Y L Q M N S L R A E D T A V Y Y C A R	-H3-	W G Q G T L V T V S S	SEQ ID NO: 44
R F T I S A D T S K N T A Y L Q M N S L R A E D T A V Y Y C A	-H3-	W G Q G T L V T V S S	SEQ ID NO: 45
R F T I S A D T S K N T A Y L Q M N S L R A E D T A V Y Y C	-H3-	W G Q G T L V T V S S	SEQ ID NO: 46

图 8B

xv1 D I Q M T Q S P S S L S A S V G D R V T I T C **-L1-** W Y Q Q K P G A P K L L I Y **-L2-** G V P S R F S G S G T D F T L T I S S L Q P
 xv2 D I V M T Q S P L S L P V T P G E P A S I S C **-L1-** W Y L Q K P G Q S P Q L L I Y **-L2-** G V P D R F S G S G T D F T L K I S R V E A
 xv3 E I V L T Q S P P G T L S L S P G E R A T L S C **-L1-** W Y Q Q K P G Q A P R L L I Y **-L2-** G I P D R F S G S G S G T D F T L T I S R L E P
 xv4 D I V M T Q S P D S L A V S L G E R A T I N C **-L1-** W Y Q Q K P G Q P P K L L I Y **-L2-** G V P D R F S G S G S G T D F T L T I S S L Q A

图 9A

E D F A T Y Y C **-L3-** F G Q G T K V E I K SEQ ID NO: 47
 E D V G V Y Y C **-L3-** F G Q G T K V E I K SEQ ID NO: 48
 E D F A V Y Y C **-L3-** F G Q G T K V E I K SEQ ID NO: 49
 E D V A V Y Y C **-L3-** F G Q G T K V E I K SEQ ID NO: 50

图 9B

Abstract

The invention relates to humanized anti-human Factor D monoclonal antibodies, their nucleic acid and amino acid sequences, the cells and vectors that harbor these antibodies and their use in the preparation of compositions and medicaments for treatment of diseases and disorders associated with excessive or uncontrolled complement activation. These antibodies are useful for diagnostics, prophylaxis and treatment of disease.

Optimized Anti-FD HuFabs Inhibit AP Hemolysis

