

【公報種別】特許法第17条の2の規定による補正の掲載

【部門区分】第1部門第1区分

【発行日】平成24年7月12日(2012.7.12)

【公開番号】特開2012-70740(P2012-70740A)

【公開日】平成24年4月12日(2012.4.12)

【年通号数】公開・登録公報2012-015

【出願番号】特願2011-237542(P2011-237542)

【国際特許分類】

C 1 2 N 15/09 (2006.01)

C 0 7 K 14/705 (2006.01)

C 0 7 K 16/28 (2006.01)

C 0 7 K 1/02 (2006.01)

C 0 7 K 19/00 (2006.01)

C 1 2 N 1/15 (2006.01)

C 1 2 N 1/19 (2006.01)

C 1 2 N 1/21 (2006.01)

C 1 2 N 5/10 (2006.01)

A 6 1 K 38/00 (2006.01)

A 6 1 K 39/395 (2006.01)

A 6 1 P 25/00 (2006.01)

A 6 1 P 19/02 (2006.01)

A 6 1 P 3/10 (2006.01)

A 6 1 P 17/06 (2006.01)

A 6 1 P 31/04 (2006.01)

A 6 1 P 1/04 (2006.01)

A 6 1 P 37/06 (2006.01)

A 6 1 K 48/00 (2006.01)

A 6 1 K 31/7088 (2006.01)

A 6 1 P 29/00 (2006.01)

【 F I 】

C 1 2 N 15/00 Z N A A

C 0 7 K 14/705

C 0 7 K 16/28

C 0 7 K 1/02

C 0 7 K 19/00

C 1 2 N 1/15

C 1 2 N 1/19

C 1 2 N 1/21

C 1 2 N 5/00 1 0 1

A 6 1 K 37/02

A 6 1 K 39/395 D

A 6 1 K 39/395 N

A 6 1 P 25/00

A 6 1 P 19/02

A 6 1 P 3/10

A 6 1 P 17/06

A 6 1 P 31/04

A 6 1 P 1/04

A 6 1 P 37/06

A 6 1 K 48/00
A 6 1 K 31/7088
A 6 1 P 29/00 1 0 1

【手続補正書】

【提出日】平成24年5月24日(2012.5.24)

【手続補正1】

【補正対象書類名】特許請求の範囲

【補正対象項目名】全文

【補正方法】変更

【補正の内容】

【特許請求の範囲】

【請求項1】

配列番号2のアミノ酸1～328を含むポリペプチドに結合するアンタゴニスト抗体またはその抗原結合フラグメントを含む、医薬として使用するための、組成物。

【請求項2】

配列番号2の配列を含むポリペプチドをコードするポリヌクレオチドに対するアンチセンス核酸を含む、医薬として使用するための、組成物。

【請求項3】

前記組成物が、以下：

- a) IL-12；
- b) IL-18；
- c) TNF；または
- d) IFN

のアンタゴニストと組み合わせて投与されることを特徴とする、医薬として使用するための、請求項1または2のいずれかに記載の組成物。

【請求項4】

以下：

- a) 慢性Th1媒介性疾患；
- b) 多発性硬化症；
- c) 関節リウマチ；
- d) 骨関節症；
- e) 炎症性腸疾患；
- f) 糖尿病；
- g) 乾癬；
- h) 敗血症；または
- i) 同種異系移植

を有する患者を治療するための、請求項1または3に規定される組成物。

【請求項5】

以下：

- a) 慢性Th1媒介性疾患；
- b) 多発性硬化症；
- c) 関節リウマチ；
- d) 骨関節症；
- e) 炎症性腸疾患；
- f) 糖尿病；
- g) 乾癬；
- h) 敗血症；または
- i) 同種異系移植

を有する患者を治療するための、請求項2に規定される組成物。

【手続補正2】

【補正対象書類名】明細書

【補正対象項目名】0027

【補正方法】変更

【補正の内容】

【0027】

【表1】

表1: DNA Xサイトカインレセプターサブユニット様実施形態 (DCRS5) のヌクレオチド配列およびポリペプチド配列。霊長類 (例えば、ヒトの実施形態 (配列番号1および配列番号2を参照のこと))。予測されるシグナル配列が示されるが、いくつかの位置によって変動し得、そして細胞型に依存し得る。同定されたバリエーションの位置は、ヌクレオチド127およびヌクレオチド563であり; これらは、GまたはTの対 (QとHとの組合せへと翻訳される) または GまたはAの対 (GとRとの組合せへと翻訳される) である。

```

gtggtacggg aattccattg tggtgggcag ccaacaaggg tggcagcctg gctctgaagt 60
ggaattatgt gcttcaaaca gggtgaaaga gggaaacagt cttttcctgc ttccagac 118
atg aat cak gtc act att caa tgg gat gca gta ata gcc ctt tac ata 166
Met Asn Xaa Val Thr Ile Gln Trp Asp Ala Val Ile Ala Leu Tyr Ile
      -20                      -15                      -10
ctc ttc agc tgg tgt cat gga gga att aca aat ata aac tgc tct ggc 214
Leu Phe Ser Trp Cys His Gly Gly Ile Thr Asn Ile Asn Cys Ser Gly
      -5                      -1 1                      5
cac atc tgg gta gaa cca gcc aca att ttt aag atg ggt atg aat atc 262
His Ile Trp Val Glu Pro Ala Thr Ile Phe Lys Met Gly Met Asn Ile
      10                      15                      20                      25
tct ata tat tgc caa gca gca att aag aac tgc caa cca agg aaa ctt 310
Ser Ile Tyr Cys Gln Ala Ala Ile Lys Asn Cys Gln Pro Arg Lys Leu
      30                      35                      40
cat ttt tat aaa aat ggc atc aaa gaa aga ttt caa atc aca agg att 358
His Phe Tyr Lys Asn Gly Ile Lys Glu Arg Phe Gln Ile Thr Arg Ile
      45                      50                      55
aat aaa aca aca gct cgg ctt tgg tat aaa aac ttt ctg gaa cca cat 406
Asn Lys Thr Thr Ala Arg Leu Trp Tyr Lys Asn Phe Leu Glu Pro His
      60                      65                      70
gct tct atg tac tgc act gct gaa tgt ccc aaa cat ttt caa gag aca 454
Ala Ser Met Tyr Cys Thr Ala Glu Cys Pro Lys His Phe Gln Glu Thr
      75                      80                      85
ctg ata tgt gga aaa gac att tct tct gga tat ccg cca gat att cct 502
Leu Ile Cys Gly Lys Asp Ile Ser Ser Gly Tyr Pro Pro Asp Ile Pro
      90                      95                      100                      105
gat gaa gta acc tgt gtc att tat gaa tat tca ggc aac atg act tgc 550
Asp Glu Val Thr Cys Val Ile Tyr Glu Tyr Ser Gly Asn Met Thr Cys
      110                      115                      120
acc tgg aat gct rgg aag ctc acc tac ata gac aca aaa tac gtg gta 598
Thr Trp Asn Ala Xaa Lys Leu Thr Tyr Ile Asp Thr Lys Tyr Val Val
      125                      130                      135
cat gtg aag agt tta gag aca gaa gaa gag caa cag tat ctc acc tca 646
His Val Lys Ser Leu Glu Thr Glu Glu Glu Gln Gln Tyr Leu Thr Ser
      140                      145                      150

```

(表1の続き)

agc tat att aac atc tcc act gat tca tta caa ggt ggc aag aag tac	694
Ser Tyr Ile Asn Ile Ser Thr Asp Ser Leu Gln Gly Gly Lys Lys Tyr	
155 160 165	
ttg gtt tgg gtc caa gca gca aac gca cta ggc atg gaa gag tca aaa	742
Leu Val Trp Val Gln Ala Ala Asn Ala Leu Gly Met Glu Glu Ser Lys	
170 175 180 185	
caa ctg caa att cac ctg gat gat ata gtg ata cct tct gca gcc gtc	790
Gln Leu Gln Ile His Leu Asp Asp Ile Val Ile Pro Ser Ala Ala Val	
190 195 200	
att tcc agg gct gag act ata aat gct aca gtg ccc aag acc ata att	838
Ile Ser Arg Ala Glu Thr Ile Asn Ala Thr Val Pro Lys Thr Ile Ile	
205 210 215	
tat tgg gat agt caa aca aca att gaa aag gtt tcc tgt gaa atg aga	886
Tyr Trp Asp Ser Gln Thr Thr Ile Glu Lys Val Ser Cys Glu Met Arg	
220 225 230	
tac aag gct aca aca aac caa act tgg aat gtt aaa gaa ttt gac acc	934
Tyr Lys Ala Thr Thr Asn Gln Thr Trp Asn Val Lys Glu Phe Asp Thr	
235 240 245	
aat ttt aca tat gtg caa cag tca gaa ttc tac ttg gag cca aac att	982
Asn Phe Thr Tyr Val Gln Gln Ser Glu Phe Tyr Leu Glu Pro Asn Ile	
250 255 260 265	
aag tac gta ttt caa gtg aga tgt caa gaa aca ggc aaa agg tac tgg	1030
Lys Tyr Val Phe Gln Val Arg Cys Gln Glu Thr Gly Lys Arg Tyr Trp	
270 275 280	
cag cct tgg agt tca ccg ttt ttt cat aaa aca cct gaa aca gtt ccc	1078
Gln Pro Trp Ser Ser Pro Phe Phe His Lys Thr Pro Glu Thr Val Pro	
285 290 295	
cag gtc aca tca aaa gca ttc caa cat gac aca tgg aat tct ggg cta	1126
Gln Val Thr Ser Lys Ala Phe Gln His Asp Thr Trp Asn Ser Gly Leu	
300 305 310	
aca gtt gct tcc atc tct aca ggg cac ctt act tct gac aac aga gga	1174
Thr Val Ala Ser Ile Ser Thr Gly His Leu Thr Ser Asp Asn Arg Gly	
315 320 325	
gac att gga ctt tta ttg gga atg atc gtc ttt gct gtt atg ttg tca	1222
Asp Ile Gly Leu Leu Leu Gly Met Ile Val Phe Ala Val Met Leu Ser	
330 335 340 345	
att ctt tct ttg att ggg ata ttt aac aga tca ttc cga act ggg att	1270
Ile Leu Ser Leu Ile Gly Ile Phe Asn Arg Ser Phe Arg Thr Gly Ile	
350 355 360	
aaa aga agg atc tta ttg tta ata cca aag tgg ctt tat gaa gat att	1318
Lys Arg Arg Ile Leu Leu Leu Ile Pro Lys Trp Leu Tyr Glu Asp Ile	
365 370 375	

(表1の続き)

cct aat atg aaa aac agc aat gtt gtg aaa atg cta cag gaa aat agt	1366
Pro Asn Met Lys Asn Ser Asn Val Val Lys Met Leu Gln Glu Asn Ser	
380 385 390	
gaa ctt atg aat aat aat tcc agt gag cag gtc cta tat gtt gat ccc	1414
Glu Leu Met Asn Asn Asn Ser Ser Glu Gln Val Leu Tyr Val Asp Pro	
395 400 405	
atg att aca gag ata aaa gaa atc ttc atc cca gaa cac aag cct aca	1462
Met Ile Thr Glu Ile Lys Glu Ile Phe Ile Pro Glu His Lys Pro Thr	
410 415 420 425	
gac tac aag aag gag aat aca gga ccc ctg gag aca aga gac tac ccg	1510
Asp Tyr Lys Lys Glu Asn Thr Gly Pro Leu Glu Thr Arg Asp Tyr Pro	
430 435 440	
caa aac tcg cta ttc gac aat act aca gtt gta tat att cct gat ctc	1558
Gln Asn Ser Leu Phe Asp Asn Thr Thr Val Val Tyr Ile Pro Asp Leu	
445 450 455	
aac act gga tat aaa ccc caa att tca aat ttt ctg cct gag gga agc	1606
Asn Thr Gly Tyr Lys Pro Gln Ile Ser Asn Phe Leu Pro Glu Gly Ser	
460 465 470	
cat ctc agc aat aat aat gaa att act tcc tta aca ctt aaa cca cca	1654
His Leu Ser Asn Asn Asn Glu Ile Thr Ser Leu Thr Leu Lys Pro Pro	
475 480 485	
gtt gat tcc tta gac tca gga aat aat ccc agg tta caa aag cat cct	1702
Val Asp Ser Leu Asp Ser Gly Asn Asn Pro Arg Leu Gln Lys His Pro	
490 495 500 505	
aat ttt gct ttt tct gtt tca agt gtg aat tca cta agc aac aca ata	1750
Asn Phe Ala Phe Ser Val Ser Ser Val Asn Ser Leu Ser Asn Thr Ile	
510 515 520	
ttt ctt gga gaa tta agc ctc ata tta aat caa gga gaa tgc agt tct	1798
Phe Leu Gly Glu Leu Ser Leu Ile Leu Asn Gln Gly Glu Cys Ser Ser	
525 530 535	
cct gac ata caa aac tca gta gag gag gaa acc acc atg ctt ttg gaa	1846
Pro Asp Ile Gln Asn Ser Val Glu Glu Glu Thr Thr Met Leu Leu Glu	
540 545 550	
aat gat tca ccc agt gaa act att cca gaa cag acc ctg ctt cct gat	1894
Asn Asp Ser Pro Ser Glu Thr Ile Pro Glu Gln Thr Leu Leu Pro Asp	
555 560 565	
gaa ttt gtc tcc tgt ttg ggg atc gtg aat gag gag ttg cca tct att	1942
Glu Phe Val Ser Cys Leu Gly Ile Val Asn Glu Glu Leu Pro Ser Ile	
570 575 580 585	
aat act tat ttt cca caa aat att ttg gaa agc cac ttc aat agg att	1990
Asn Thr Tyr Phe Pro Gln Asn Ile Leu Glu Ser His Phe Asn Arg Ile	
590 595 600	

(表1の続き)

tca ctc ttg gaa aag tagagctgtg tggcctcaaat caatatgaga aagctgcctt 2045
 Ser Leu Leu Glu Lys
 605

gcaatctgaa cttgggtttt ccctgcaata gaaattgaat tctgcctcctt tttgaaaaaa 2105
 atgtattcac atacaaatct tcacatggac acatgttttc atttccttg gataaatacc 2165
 taggtagggg attgctgggc catatgataa gcatatgttt cagttctacc aatcttgttt 2225
 ccagagtagt gacatttctg tgctcctacc atcaccatgt aagaattccc gggagctcca 2285
 tgccttttta attttagcca ttctctgccc tmatttctta aaattagaga attaaggctc 2345
 cgaaggtgga acatgcttca tggcctacaca tacaggcaca aaaacagcat tatgtggacg 2405
 cctcatgtat ttttataga gtcaactatt tcctctttat tttccctcat tgaaagatgc 2465
 aaaacagctc tctatttgtt acagaaaggg taaataatgc aaaatacctg gtagtaaaat 2525
 aaatgctgaa aattttcctt taaaatagaa tcattagccc aggcgtgggtg gctcatgctt 2585
 gtaatccag cactttggta ggctgaggtr ggtggatcac ctgaggtcag gagttogagt 2645
 ccagcctggc caatatgctg aaaccctgtc tctactaaaa ttacaaaaat tagccggcca 2705
 tgggtggcagg tgcttgtaat cccagctact tgggaggctg aggcaggaga atcacttgaa 2765
 ccaggaaggc agaggttgca ctgagctgag attgtgccac tgcactccag cctgggcaac 2825
 aagagcaaaa ctctgtctgg aaaaaaaaaa aaaa 2859

MN(Q/H)VTIQWDAVIALYLFSWCHGGITNINCSGHIWVEPATIFKMGMNISYICQAAIKNCQPRKLHF
 YKNGIKERFQITRINKTARLWYKNFLEPHASMYCTABCPKHFQETLICGKDISSGYPPDIPDEVTCVIY
 EYSGNMTCTWNA(G/R)KLTYIDTKYVHVKSLETEEEQQYLTSYINISTDSLQGGKKYLVVWQAANAL
 GMEESKQLQIHLDDIVIPSAAVISRAETINATVPKTIYWDSQTTIEKVSCEMRYKATTNQTWNVKEFDT
 NFTYVQQSEFYLEPNIKYVFQVRCQETGKRYWQPWSSPFFHKTPETVPQVTSKAFQHDTWNSGLTVASIS
 TGHLTSDNRGDI~~GLLLGMIVFAVMLSILSLIGIFNRSFRTGIKRRILLILPKWLYEDIPNMKNSNVKML~~
 QENSELMNNSSEQVLYVDPMITEIKEIFIPEHKPTDYKKENTGPLETRDYPQNSLFDNTTVVYIPDLNT
 GYKQPQISNFLPEGSHLSNNNETISLTLKPPVDSLDSGNNPRLQKHPNFAFSVSSVNSLSNTIFLGELSLI
 LNQGECSSPDIQNSVEBETTMLLENDSPSETIPEQTLLEDEFVSCLGIVNEELPSINTYFPQNI~~LESHFN~~
 RISLLEK

【 手続補正 3 】

【 補正対象書類名 】 明細書

【 補正対象項目名 】 配列表

【 補正方法 】 変更

【 補正の内容 】

【 配列表 】

[201207074000001.app](#)