

【公報種別】特許法第17条の2の規定による補正の掲載

【部門区分】第1部門第1区分

【発行日】平成18年1月12日(2006.1.12)

【公表番号】特表2005-509432(P2005-509432A)

【公表日】平成17年4月14日(2005.4.14)

【年通号数】公開・登録公報2005-015

【出願番号】特願2003-545801(P2003-545801)

【国際特許分類】

C 12 N 15/09 (2006.01)

C 12 Q 1/68 (2006.01)

【F I】

C 12 N 15/00 Z N A A

C 12 Q 1/68 A

【手続補正書】

【提出日】平成17年3月15日(2005.3.15)

【手続補正1】

【補正対象書類名】特許請求の範囲

【補正対象項目名】全文

【補正方法】変更

【補正の内容】

【特許請求の範囲】

【請求項1】

- 3 7 3 7 I L - 1 B 多型対立遺伝子を含むヒトゲノム配列の20個の連続したヌクレオチドを含む単離核酸。

【請求項2】

前記20個の連続したヌクレオチドが、- 3 7 3 7 I L - 1 B 対立遺伝子1配列：

T C T A G A C C A G G G A G G G A G A A T G G A A T G T C C T T G G A C T C T G
C A T G T :に相当することを特徴とする請求項1記載の単離核酸。

【請求項3】

前記20個の連続したヌクレオチドが、- 3 7 3 7 I L - 1 B 対立遺伝子2配列：

T C T A G A C C A G G G A G G G A G A A T G G A A T G T T C C T T G G A C T C T G
C A T G T :に相当することを特徴とする請求項1記載の単離核酸。

【請求項4】

- 1 4 6 9 I L - 1 B 多型対立遺伝子を含むヒトゲノム配列の20個の連続したヌクレオチドを含む単離核酸。

【請求項5】

前記20個の連続したヌクレオチドが、- 1 4 6 9 I L - 1 B 対立遺伝子1配列：

A C A G A G G C T C A C T C C C T T G C A T A A T G C A G A G C G A G C A C G A
T A C C T G G :に相当することを特徴とする請求項4記載の単離核酸。

【請求項6】

前記20個の連続したヌクレオチドが、- 1 4 6 9 I L - 1 B 対立遺伝子2配列：

A C A G A G G C T C A C T C C C T T G T A T A A T G C A G A G C G A G C A C G A
T A C C T G G :に相当することを特徴とする請求項4記載の単離核酸。

【請求項7】

- 9 9 9 I L - 1 B 多型対立遺伝子を含むヒトゲノム配列の20個の連続したヌクレオチドを含む単離核酸。

【請求項8】

前記20個の連続したヌクレオチドが、- 9 9 9 I L - 1 B 対立遺伝子1配列：

G A T C G T G C C A C T g c A C T C C A G C C T G G G C G A C A G G G T G A G A
C T C T G T C T C : に相当することを特徴とする請求項 7 記載の単離核酸。

【請求項 9】

前記 20 個の連続したヌクレオチドが - 9 9 9 I L - 1 B 対立遺伝子 2 配列 :

G A T C G T G C C A C T g c A C T C C A G C C T G G G C G A C A G C T G A G A
C T C T G T C T C : に相当することを特徴とする請求項 7 記載の単離核酸。

【請求項 10】

請求項 1 から 9 いずれか 1 項記載の単離核酸の相補配列を含む単離核酸。

【請求項 11】

I L - 1 B の - 3 7 3 7 に相当するヌクレオチドが、核酸分子の 3' 末端に位置することを特徴とする請求項 1 記載の単離核酸。

【請求項 12】

I L - 1 B の - 1 4 6 9 に相当するヌクレオチドが、核酸分子の 3' 末端に位置することを特徴とする請求項 4 記載の単離核酸。

【請求項 13】

I L - 1 B の - 9 9 9 に相当するヌクレオチドが、核酸分子の 3' 末端に位置することを特徴とする請求項 7 記載の単離核酸。

【請求項 14】

検出可能な標識をさらに含むことを特徴とする、請求項 11 から 13 いずれか 1 項記載の核酸。

【請求項 15】

ヒト被験者におけるインターロイキン産生増加に関連する炎症性疾患または状態を発症する可能性の上昇を特定する方法であって :

ヒト被験者から得た核酸検体において、タイプ 1 またはタイプ 2 プロモーター配列としての - 3 7 3 7 I L - 1 B 対立遺伝子の同一性を決定する工程を含み、

タイプ 1 I L - 1 B プロモーター配列の存在が、インターロイキン産生増加に関連する炎症性疾患または状態を発症する可能性の上昇を示唆することを特徴とする方法。

【請求項 16】

炎症性疾患が歯周病であることを特徴とする請求項 15 記載の方法。

【請求項 17】

炎症性疾患がアルツハイマー病であることを特徴とする請求項 15 記載の方法。

【請求項 18】

炎症性疾患が、アルツハイマー病、筋萎縮性側索硬化症、関節炎、コラーゲン誘導性関節炎、若年性慢性関節炎、若年性慢性関節リウマチ、変形性関節炎、喘息、心臓血管疾患、自己免疫性糖尿病、インシュリン依存性(タイプ 1)糖尿病、糖尿病性歯周炎、糖尿病性網膜症、糖尿病性腎症、腹腔疾患、慢性大腸炎、クローン病、炎症性腸疾患、潰瘍性大腸炎、胃潰瘍、肝炎、コレステロール胆石、肝線維症、川崎病、多発性硬化症、腎症、神経変性疾患、眼疾患、膀胱炎、歯周病、肺疾患、再狭窄、慢性関節リウマチ、甲状腺炎、円形脱毛症、自己免疫性心筋炎、およびグレーブス病より成る群から選択されることを特徴とする請求項 15 記載の方法。

【請求項 19】

ヒト被験者がある治療薬で効果的に治療されうるかどうかを特定する方法であって :

ヒト被験者から得た核酸検体において、タイプ 1 またはタイプ 2 プロモーター配列としての - 3 7 3 7 I L - 1 B 対立遺伝子の同一性を決定する工程を含み、

タイプ 1 I L - 1 B プロモーター配列の存在が、ヒト被験者がその治療薬で効果的に治療されうることを示唆することを特徴とする方法。

【請求項 20】

ヒト被験者におけるインターロイキン産生増加に関連する炎症性疾患または状態を発症する可能性の上昇を予測する方法であって :

ヒト被験者から得た核酸検体において、 - 3 7 3 7 I L - 1 B タイプ 1 対立遺伝子に関

連するIL-1ハプロタイプの存在を検出する工程を含み、

-3737 IL-1Bタイプ1対立遺伝子に関連するIL-1ハプロタイプの存在が、炎症性疾患または状態を発症する可能性の上昇を示唆することを特徴とする方法。

【請求項21】

ヒト被験者からの核酸検体において、IL-1B4対立遺伝子1(T G C A T A G G G T C)、IL-1B3対立遺伝子1(T G C A T A G G G T C)、IL-1B7対立遺伝子-1(T G C A T A G G G T C)、IL-1B15対立遺伝子1(T G C A T A G G G T C)、IL-1B4対立遺伝子2(T G T A T A G G G T C)、IL-1B3対立遺伝子2(T A C A T A G G G T C)、IL-1B7対立遺伝子-2(T G C A T G G G G T C)、およびIL-1B15対立遺伝子2(T G C A T A G G G T T)より成る群から選択されるIL-1B多型を検出する工程を含む、ヒト被験者におけるIL-1B発現の変化に関連する炎症性疾患または状態を発症する可能性を予測する方法。

【請求項22】

IL-1B4対立遺伝子1(T G C A T A G G G T C)、IL-1B3対立遺伝子1(T G C A T A G G G T C)、IL-1B7対立遺伝子-1(T G C A T A G G G T C)、IL-1B15対立遺伝子1(T G C A T A G G G T C)、IL-1B4対立遺伝子2(T G T A T A G G G T C)、IL-1B3対立遺伝子2(T A C A T A G G G T C)、IL-1B7対立遺伝子-2(T G C A T G G G G T C)、およびIL-1B15対立遺伝子2(T G C A T A G G G T T)より成る群から選択されるIL-1B SNPを含むIL-1炎症性遺伝子型の検出のための単離核酸。

【請求項23】

IL-1遺伝子発現変化に関連する機能性多型を検出する方法であつて：

IL-1 SNPを同定し；

前記SNPがIL-1遺伝子の発現またはIL-1遺伝子転写因子の結合に及ぼす影響を機能的に評価する；工程を含み、

前記SNPがIL-1遺伝子の発現の変化またはIL-1遺伝子転写因子の結合の変化に関連する場合は、該SNPがIL-1遺伝子の発現の変化に関連する機能性多型であることを特徴とする方法。