



(51) МПК
A01K 67/027 (2006.01)
C12N 5/0781 (2010.01)
C12N 5/12 (2006.01)

ФЕДЕРАЛЬНАЯ СЛУЖБА
ПО ИНТЕЛЛЕКТУАЛЬНОЙ СОБСТВЕННОСТИ

(12) ОПИСАНИЕ ИЗОБРЕТЕНИЯ К ПАТЕНТУ

(21)(22) Заявка: 2013125717/10, 24.02.2012

(24) Дата начала отсчета срока действия патента:
24.02.2012

Приоритет(ы):

(30) Конвенционный приоритет:
 25.02.2011 US 61/446,895;
 16.06.2011 US 61/497,650;
 06.02.2012 US 61/595,200

(43) Дата публикации заявки: 10.12.2014 Бюл. № 34

(45) Опубликовано: 20.04.2016 Бюл. № 11

(56) Список документов, цитированных в отчете о поиске: WO 2000073323 A2, 07.12.2000. US 2004018626 A1, 29.01.2004. RU 2151612 C1, 27.06.2000. RU 2264413 C2, 20.11.2005. EA 10506 B1, 30.10.2008. EA 10469 B1, 29.08.2008.

(85) Дата начала рассмотрения заявки РСТ на национальной фазе: 04.06.2013

(86) Заявка РСТ:
US 2012/026416 (24.02.2012)(87) Публикация заявки РСТ:
WO 2012/141798 (18.10.2012)Адрес для переписки:
190000, Санкт-Петербург, BOX 1125, ООО
"ПАТЕНТИКА", М.И.Ниловой

(72) Автор(ы):

МАКДОНАЛД Линн (US),
СТИВЕНС Шон (US),
МЕРФИ Эндрю Дж. (US)

(73) Патентообладатель(и):

РЕДЖЕНЕРОН ФАРМАСЫЮТИКАЛС,
ИНК. (US)

C 2

1 1

8 8

5 5

U 1

R U
2 5 8 2 2 6 1
C 2

(54) МЫШИ ADAM6

(57) Реферат:

Изобретение относится к области биотехнологии и генной инженерии. Предложены мыши со сниженной или отсутствующей активностью ADAM6, обеспечивающей эндогенным локусом ADAM6, либо с отсутствующим эндогенным локусом, кодирующим белок ADAM6 мыши, отличающиеся тем, что у указанных мышей присутствует последовательность, кодирующая ADAM6, либо его ортолог, гомолог или фрагмент, функциональный у мышей-самцов. Согласно одному из вариантов реализации указанная

последовательность представляет собой эктопическую последовательность ADAM6 или последовательность, придающую самцам мыши способность производить потомство посредством спаривания. Также предложены мыши и клетки с генетически модифицированными локусами тяжелой цепи иммуноглобулина, содержащими эктопическую последовательность нуклеотидов, кодирующую ADAM6 мыши, либо его функциональный фрагмент, гомолог или ортолог. Предложенное изобретение может быть использовано в иммунологии. 6 н. и 17 з.п. ф-лы,

41 ил., 13 табл., 11 пр.

R U 2 5 8 2 2 6 1 C 2

R U 2 5 8 2 2 6 1 C 2



(51) Int. Cl.
A01K 67/027 (2006.01)
C12N 5/0781 (2010.01)
C12N 5/12 (2006.01)

(12) ABSTRACT OF INVENTION

(21)(22) Application: 2013125717/10, 24.02.2012

(24) Effective date for property rights:
24.02.2012

Priority:

(30) Convention priority:
 25.02.2011 US 61/446,895;
 16.06.2011 US 61/497,650;
 06.02.2012 US 61/595,200

(43) Application published: 10.12.2014 Bull. № 34

(45) Date of publication: 20.04.2016 Bull. № 11

(85) Commencement of national phase: 04.06.2013

(86) PCT application:
US 2012/026416 (24.02.2012)(87) PCT publication:
WO 2012/141798 (18.10.2012)

Mail address:

190000, Sankt-Peterburg, VOKH 1125, OOO
"PATENTIKA", M.I.Nilovoj(72) Inventor(s):
**MAKDONALD Linn (US),
STIVENS SHon (US),
MERFI Endrju Dzh. (US)**(73) Proprietor(s):
**REDZHENERON FARMASJUTIKALS, INK.
(US)**

C2

1

1

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

2

ОБЛАСТЬ ТЕХНИКИ

[0001] Описаны генетически модифицированные мыши, клетки, эмбрионы и ткани, содержащие последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую функциональный локус ADAM6. Модификации затрагивают локусы иммуноглобулина человека и/или

5 гуманизированного иммуноглобулина. Описаны мыши, у которых отсутствует функциональный эндогенный ген ADAM6, но присутствует функция ADAM6, в том числе мыши, у которых присутствует эктопическая последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующая белок ADAM6. Описаны генетически модифицированные мыши-самцы с модификацией эндогенного локуса иммуноглобулина V_H, которая придает

10 мыши неспособность к синтезу функционального белка ADAM6 и приводящей к потере фертильности, а также обеспечивающей функцию ADAM6 у мышей-самцов, в том числе мыши, у которых присутствует эктопическая последовательность нуклеиновой кислоты, восстанавливающая фертильность у указанных самцов мыши.

ПРЕДПОСЫЛКИ СОЗДАНИЯ ИЗОБРЕТЕНИЯ

15 [0002] Мыши, у которых присутствует гены антител человека, известны в данной области техники. Фармацевтическое применение антител на протяжении последних двух десятилетий стимулировало значительный объем исследований, касающихся получения антител, подходящих для применения в качестве терапевтических средств для человека. Первые терапевтические средства на основе антител, для которых

20 применялись антитела мыши, не были идеальны в качестве терапевтических средств для человека, так как многократное введение мышьных антител людям приводит к иммуногенности, что может мешать при долгосрочных схемах лечения. Разрабатывались решения, основанные на гуманизации антител мыши для придания им в большей степени

25 качеств антител человека и в меньшей степени - антител мыши. Затем появились способы экспрессирования последовательностей иммуноглобулина человека для применения в антителах, главным образом основанные на *in vitro* экспрессии фаговых, бактериальных или дрожжевых библиотек иммуноглобулина человека. Наконец, были предприняты попытки получить подходящие антитела человека из лимфоцитов человека *in vitro*, от мышей, которым были привиты гемопоэтические клетки человека, и от

30 трансхромосомных или трансгенных мышей с инактивированными эндогенными иммуноглобулиновыми локусами. У трансгенных мышей необходимо было инактивировать эндогенные гены иммуноглобулина мыши, чтобы случайным образом встроенные полностью человеческие трансгены функционировали в качестве источника последовательностей иммуноглобулина, экспрессирующихся у таких мышей. Такие

35 мыши способны синтезировать антитела человека, подходящие для применения в качестве терапевтических средств для человека, но у таких мышей наблюдаются значительные проблемы с иммунной системой. Указанные трудности (1) делают использование таких мышей нецелесообразным для получения достаточно разнообразного репертуара антител, (2) требуют применения дорогостоящих

40 реконструктивных доработок, (3) обеспечивают неоптимальный процесс селекции клонов, по-видимому, из-за несовместимости элементов человека и мыши, и (4) делают указанных мышей ненадежным источником больших и разнообразных популяций вариабельных последовательностей человека, которые действительно подходили бы для получения терапевтических средств для человека.

45 [0003] В данной области техники продолжает существовать потребность в получении улучшенных генетически модифицированных мышей, подходящих для синтеза последовательностей иммуноглобулина, в том числе последовательностей антител человека. Также остается потребность в мышах, способных к реаранжировке сегментов

генов иммуноглобулинов с образованием подходящих реаранжированных генов иммуноглобулинов, или способных к синтезу белков из измененных иммуноглобулиновых локусов, в то же время уменьшая или устранивая оказывающие пагубное воздействие изменения, к которым могут приводить генетические модификации.

5 КРАТКОЕ ОПИСАНИЕ ИЗОБРЕТЕНИЯ

[0004] Согласно одному из аспектов предложены нуклеиновокислые конструкции, клетки, эмбрионы, мыши и способы получения мышей, содержащих модификацию, приводящую к нефункциональности эндогенного мышевого белка ADAM6 или гена ADAM6 (например, к нокауту, или к делеции в эндогенном гене ADAM6), при этом у 10 указанных мышей присутствует последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующая белок ADAM6, либо его ортолог, гомолог или фрагмент, функциональный у мышей-самцов.

[0005] Согласно одному из аспектов предложены конструкции нуклеиновых кислот, клетки, эмбрионы, мыши и способы получения мышей, содержащих модификацию 15 эндогенного локуса иммуноглобулина мыши, при этом у указанных мышей присутствует белок ADAM6, либо его ортолог, гомолог или фрагмент, функциональный у мышей-самцов. Согласно одному из вариантов реализации указанный эндогенный локус иммуноглобулина мыши представляет собой локус тяжелой цепи иммуноглобулина, и 20 указанная модификация уменьшает или элиминирует активность ADAM6 в клетке или в ткани у мышей-самцов.

[0006] Согласно одному из аспектов предложены мыши, у которых присутствует эктопическая последовательность нуклеотидов, кодирующая ADAM6 мыши, либо его ортолог, гомолог или функциональный фрагмент; также предложены мыши, у которых присутствует эндогенная последовательность нуклеотидов, кодирующая ADAM6 мыши, 25 либо его ортолог, гомолог или фрагмент, и по меньшей мере одна генетическая модификация локуса тяжелой цепи иммуноглобулина.

[0007] Согласно одному из аспектов предложены способы получения мышей, у которых присутствует модификация эндогенного локуса иммуноглобулина мыши, при этом у указанных мышей присутствует белок ADAM6, либо его ортолог, гомолог или 30 фрагмент, функциональный у мышей-самцов. Мыши согласно настоящему изобретению можно получить, например, с применением описанных в настоящей заявке способов.

[0008] Согласно одному из аспектов предложены способы получения мышей, у которых присутствует генетическая модификация локуса тяжелой цепи иммуноглобулина, при этом применение указанных способов дает мышей-самцов, у 35 которых присутствует модифицированный локус тяжелой цепи иммуноглобулина (или его делеция); указанные мыши-самцы способны производить потомство посредством спаривания. Согласно одному из вариантов реализации указанные мыши-самцы способны продуцировать сперму, способную перемещаться из матки мыши через маточные трубы мыши для оплодотворения мышевой яйцеклетки.

40 [0009] Согласно одному из аспектов предложены способы получения мышей, у которых присутствует генетическая модификация локуса тяжелой цепи иммуноглобулина, при этом применение указанных способов дает мышей-самцов, у которых присутствует модифицированный локус тяжелой цепи иммуноглобулина (или его делеция); у указанных мышей-самцов наблюдается снижение фертильности; у 45 указанных мышей также имеется генетическая модификация, полностью или частично восстанавливающая сниженную фертильность. Согласно различным вариантам реализации снижение фертильности характеризуется неспособностью спермы мышей-самцов передвигаться из матки мыши по маточным трубам мыши для оплодотворения

мышиной яйцеклетки. Согласно различным вариантам реализации снижение фертильности характеризуется проявлением дефекта подвижности у спермы *in vivo*. Согласно различным вариантам реализации генетическая модификация, полностью или частично восстанавливающая сниженную фертильность, представляет собой последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую ген ADAM6 мыши, либо его ортолог, гомолог или фрагмент, функциональный у мышей-самцов.

[00010] Согласно одному из вариантов реализации указанная генетическая модификация включает замену эндогенных вариабельных локусов тяжелой цепи иммуноглобулина вариабельными локусами тяжелой цепи иммуноглобулина других видов (например, не являющихся мышами). Согласно одному из вариантов реализации указанная генетическая модификация включает вставку ортологичных вариабельных локусов тяжелой цепи иммуноглобулина в эндогенные вариабельные локусы тяжелой цепи иммуноглобулина. Согласно конкретному варианту реализации указанный вид представляет собой человека. Согласно одному из вариантов реализации указанная генетическая модификация включает удаление эндогенного локуса вариабельной области тяжелой цепи иммуноглобулина полностью или частично, при этом указанное удаление приводит к потере функции эндогенного ADAM6. Согласно конкретному варианту реализации указанная потеря функции эндогенного ADAM6 связана со снижением фертильности у мышей-самцов.

[00011] Согласно одному из аспектов предложены мыши, у которых присутствует модификация, которая уменьшает или элиминирует экспрессию ADAM6 мыши из эндогенного аллеля ADAM6, так что у самца мыши, имеющего указанную модификацию, наблюдается снижение фертильности (например, значительное снижение способности производить потомство посредством спаривания) или по существу бесплодность из-за снижения или утраты функции эндогенного ADAM6, при этом у указанных мышей также присутствует эктопическая последовательность ADAM6, либо его гомолога, ортолога или функционального фрагмента. Согласно одному из аспектов модификация, которая уменьшает или элиминирует экспрессию ADAM6 мыши, представляет собой модификацию (например, вставку, удаление, замещение, и т.п.) в локусе иммуноглобулина мыши.

[00012] Согласно одному из вариантов реализации снижение или утрата функции ADAM6 включает неспособность или по существу полную неспособность мыши продуцировать сперму, способную передвигаться из матки мыши через маточные трубы мыши для оплодотворения мышиной яйцеклетки. Согласно конкретному варианту реализации по меньшей мере приблизительно 95%, 96%, 97%, 98%, или 99% спермии в объеме эякулята мыши неспособны проходить через маточные трубы *in vivo* после копуляции и оплодотворять яйцеклетку мыши.

[00013] Согласно одному из вариантов реализации уменьшение или утрата функции ADAM6 включает неспособность к формированию или по существу полную неспособность к формированию комплекса ADAM2 и/или ADAM3 и/или ADAM6 на поверхности спермия мыши. Согласно одному из вариантов реализации утрата функции ADAM6 включает по существу полную неспособность к оплодотворению мышиной яйцеклетки посредством копуляции с самкой мыши.

[00014] Согласно одному из аспектов предложена мышь, у которой отсутствует функциональный эндогенный ген ADAM6 и присутствует белок (или эктопическая последовательность нуклеотидов, кодирующая белок), обеспечивающий функционал ADAM6 у указанной мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанная мышь представляет собой самца мыши, а указанный функционал включает повышение

фертильности по сравнению с мышью, у которой отсутствует функциональный эндогенный ген ADAM6.

[00015] Согласно одному из вариантов реализации указанный белок кодируется геномной последовательностью, расположенной в иммуноглобулиновом локусе зародышевой линии мыши. Согласно конкретному варианту реализации указанный иммуноглобулиновый локус представляет собой локус тяжелой цепи. Согласно другому конкретному варианту реализации указанный локус тяжелой цепи содержит по меньшей мере один генетический сегмент V_H человека, по меньшей мере один генетический сегмент D_H человека и по меньшей мере один генетический сегмент J_H человека. Согласно одному из

вариантов реализации эктопический белок кодируется геномной последовательностью расположенной в не-иммуноглобулиновом локусе зародышевой линии мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанный не-иммуноглобулиновый локус представляет собой транскрипционно активный локус. Согласно конкретному варианту реализации указанный транскрипционно активный локус представляет собой ROSA26 локус.

Согласно конкретному варианту реализации указанный транскрипционно активный локус связан с тканеспецифической экспрессией. Согласно одному из вариантов реализации указанная тканеспецифическая экспрессия происходит в репродуктивных тканях. Согласно одному из вариантов реализации указанный белок кодируется геномной последовательностью, случайным образом встраиваемой в зародышевую

линию мыши.

[00016] Согласно одному из вариантов реализации у мыши присутствует легкая цепь человека, или гибридная легкая цепь человека/мыши, или гибридная легкая цепь человека/крысы (например, вариабельная область человека, константная область мыши или крысы); и гибридная тяжелая цепь с вариабельной областью человека/константной областью мыши или крысы. Согласно конкретному варианту реализации у мыши присутствует трансген, который содержит ген гибридной легкой цепи с вариабельной областью человека/константной областью крысы или мыши, функционально связанный с транскрипционно активным промотором, например, промотором ROSA26. Согласно еще одному конкретному варианту реализации указанный трансген гибридной легкой цепи человека/мыши или крысы содержит последовательность реаранжированной вариабельной области легкой цепи человека в зародышевой линии мыши.

[00017] Согласно одному из вариантов реализации указанная эктопическая последовательность нуклеотидов расположена в иммуноглобулиновом локусе в зародышевой линии мыши. Согласно конкретному варианту реализации указанный иммуноглобулиновый локус представляет собой локус тяжелой цепи. Согласно одному из вариантов реализации указанный локус тяжелой цепи содержит по меньшей мере один генетический сегмент V_H человека, по меньшей мере один генетический сегмент D_H человека и по меньшей мере один генетический сегмент J_H человека. Согласно одному из вариантов

реализации указанная эктопическая последовательность нуклеотидов расположена в не-иммуноглобулиновом локусе в зародышевой линии мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанный не-иммуноглобулиновый локус представляет собой транскрипционно активный локус. Согласно конкретному варианту реализации указанный транскрипционно активный локус представляет собой локус ROSA26.

Согласно одному из вариантов реализации указанная эктопическая последовательность нуклеотидов случайным образом встроена в зародышевую линию мыши.

[00018] Согласно одному из аспектов предложена мышь, у которой отсутствует функциональный эндогенный ген ADAM6, при этом указанная мышь содержит

эктопическую последовательность нуклеотидов, которая восполняет утрату функции ADAM6 мыши. Согласно одному из вариантов реализации эктопическая последовательность нуклеотидов придает указанной мыши способность производить потомство, сопоставимую с соответствующей способностью мыши дикого типа, у

- 5 которой присутствует функциональный эндогенный ген ADAM6. Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность придает мыши способность к образованию комплекса ADAM2 и/или ADAM3 и/или ADAM6 на поверхности спермия мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность придает сперме указанной мыши способность перемещаться из матки мыши через

10 маточные трубы мыши к яйцеклетке мыши для оплодотворения указанной яйцеклетки.

[00019] Согласно одному из вариантов реализации мышь, у которой отсутствует функциональный эндогенный ген ADAM6 и присутствует указанная эктопическая последовательность нуклеотидов, производит по меньшей мере приблизительно 50%, 60%, 70%, 80%, или 90% от числа пометов мыши дикого типа того же возраста и линии

- 15 за период времени, равный шести месяцам.

[00020] Согласно одному из вариантов реализации мышь, у которой отсутствует функциональный эндогенный ген ADAM6 и присутствует указанная эктопическая последовательность нуклеотидов, производит больше потомства по меньшей мере приблизительно в 1,5 раза, приблизительно в 2 раза, приблизительно в 2,5 раза,

- 20 приблизительно в 3 раза, приблизительно в 4 раза, приблизительно в 6 раз, приблизительно в 7 раз, приблизительно в 8 раз или приблизительно в 10 раз, либо более, при размножении на протяжении равного шести месяцам периода времени, чем мышь того же возраста и той же или сходной линии, у которой отсутствуют функциональный эндогенный ген ADAM6 и указанная эктопическая последовательность
- 25 нуклеотидов, при размножении на протяжении такого же по существу периода времени и в таких же по существу условиях.

[00021] Согласно одному из вариантов реализации мышь, у которой отсутствует функциональный эндогенный ген ADAM6 и присутствует указанная эктопическая последовательность нуклеотидов, производит в среднем по меньшей мере

- 30 приблизительно в 2 раза, в 3 раза или в 4 раза больше детенышей на помет на протяжении периода размножения, равного 4 или 6 месяцам, по сравнению с мышью, у которой отсутствует функциональный эндогенный ген ADAM6 и указанная эктопическая нуклеотидная последовательность, размножающейся на протяжении такого же периода времени.

- 35 [00022] Согласно одному из вариантов реализации мышь, у которой отсутствует функциональный эндогенный ген ADAM6 и присутствует указанная эктопическая последовательность нуклеотидов, представляет собой самца мыши, и указанный самец мыши продуцирует сперму, которая при извлечении из маточных труб приблизительно через 5-6 часов после копуляции проявляет способность к передвижению по маточным
- 40 трубам по меньшей мере в 10 раз, по меньшей мере в 20 раз, по меньшей мере в 30 раз, по меньшей мере в 40 раз, по меньшей мере в 50 раз, по меньшей мере в 60 раз, по меньшей мере в 70 раз, по меньшей мере в 80 раз, по меньшей мере в 90 раз, в 100 раз, в 110 раз или в 120 раз, либо более, большую, чем у мыши, у которой отсутствует функциональный эндогенный ген ADAM6 и указанная эктопическая нуклеотидная
- 45 последовательность.

[00023] Согласно одному из вариантов реализации мышь, у которой отсутствует функциональный эндогенный ген ADAM6 и присутствует эктопическая последовательность нуклеотидов, при копуляции с самкой мыши производит сперму,

способную пересечь матку, проникнуть в маточные трубы и переместиться по маточным трубам не более чем приблизительно за 6 часов с эффективностью, приблизительно равной эффективности спермы мыши дикого типа.

[00024] Согласно одному из вариантов реализации мышь, у которой отсутствует

5 функциональный эндогенный ген ADAM6 и присутствует указанная эктопическая последовательность нуклеотидов, производит потомство чаще приблизительно в 1,5 раза, приблизительно в 2 раза, приблизительно в 3 раза, или приблизительно в 4 раза, либо более, на протяжении сопоставимого периода времени по сравнению с мышью, у которой отсутствует функциональный ген ADAM6 и указанная эктопическая

10 нуклеотидная последовательность.

[00025] Согласно одному из аспектов предложена мышь, содержащая в зародышевой линии не происходящую от мыши последовательность нуклеиновой кислоты,

кодирующую белок-иммуноглобулин, при этом указанная последовательность не происходит от мыши иммуноглобулина содержит вставку гена ADAM6 мыши, либо

15 его гомолога, ортолога или функционального фрагмента. Согласно одному из вариантов реализации указанная не происходящего от мыши иммуноглобулина содержит последовательность иммуноглобулина человека. Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность содержит последовательность тяжелой цепи иммуноглобулина человека. Согласно одному из вариантов реализации указанная

20 последовательность содержит последовательность легкой цепи иммуноглобулина человека. Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность содержит один или более генных сегментов V, один или более генных сегментов D и один или более генных сегментов J; согласно одному из вариантов реализации указанная

25 последовательность содержит один или более генных сегментов V и один или более генных сегментов J. Согласно одному из вариантов реализации указанный один или более генных сегментов V, D и J, или один или более генных сегментов V и J, нереаранжирован(ы). Согласно одному из вариантов реализации указанный один или более генных сегментов V, D и J, или один или более генных сегментов V и J,

реаранжирован(ы). Согласно одному из вариантов реализации после реаранжировки 30 указанного одного или более генных сегментов V, D и J, или одного или более генных сегментов V и J, в геноме указанной мыши содержится по меньшей мере одна последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую ген ADAM6 мыши, либо его гомолог, ортолог или функциональный фрагмент. Согласно одному из вариантов реализации после реаранжировки геном указанной мыши содержит по меньшей мере

35 две последовательности нуклеиновой кислоты, кодирующей ген ADAM6 мыши, либо его гомолог, ортолог или функциональный фрагмент. Согласно одному из вариантов реализации после реаранжировки геном указанной мыши содержит по меньшей мере одну последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую ген ADAM6 мыши, либо его гомолог, ортолог или функциональный фрагмент. Согласно одному из вариантов

40 реализации указанная мышь содержит ген ADAM6, либо его гомолог, ортолог или функциональный фрагмент, в В-клетке. Согласно одному из вариантов реализации у мыши присутствует ген ADAM6, либо его гомолог, ортолог или функциональный фрагмент в клетке, не являющейся В-клеткой.

[00026] Согласно одному из аспектов предложены мыши, экспрессирующие

45 вариабельную область тяжелой цепи иммуноглобулина человека или ее функциональный фрагмент из эндогенного локуса тяжелой цепи иммуноглобулина мыши, при этом у указанных мышей присутствует активность ADAM6, функционального у мышей-самцов.

[00027] Согласно одному из вариантов реализации у указанных мышей-самцов

присутствует один немодифицированный эндогенный аллель ADAM6 или его ортолог, гомолог или функциональный фрагмент, в эндогенном локусе ADAM6.

[00028] Согласно одному из вариантов реализации у указанных мышей-самцов присутствует эктопическая последовательность ADAM6 мыши, либо ее гомолог, ортолог или функциональный фрагмент, кодирующая(ий) белок, обеспечивающий функцию ADAM6.

[00029] Согласно одному из вариантов реализации у указанных мышей-самцов присутствует последовательность ADAM6, либо ее гомолог, ортолог или функциональный фрагмент, расположение которой в геноме мыши приблизительно соответствует положению эндогенного аллеля ADAM6 мыши, например, в 3' направлении от последний последовательности генного сегмента V и в 5' направлении от первого генного сегмента D.

[00030] Согласно одному из вариантов реализации у указанных мышей-самцов присутствует последовательность ADAM6, либо ее гомолог, ортолог или функциональный фрагмент,flenкированная(ый) с 5'-стороны, 3'-стороны, либо с 5'- и 3'-стороны (относительно направления транскрипции указанной последовательности ADAM6) последовательности нуклеиновой кислоты, кодирующей генный сегмент вариабельной области иммуноглобулина. Согласно конкретному варианту реализации указанный вариабельный генный сегмент иммуноглобулина представляет собой генный сегмент человека. Согласно одному из вариантов реализации указанный вариабельный генный сегмент иммуноглобулина представляет собой генный сегмент человека, а указанная последовательность, кодирующая ADAM6 мыши, либо его ортолог, гомолог или фрагмент, функциональный у мыши, расположена между генными сегментами V человека; согласно одному из вариантов реализации указанная мышь содержит два или более генных сегментов V человека, и указанная последовательность находится в положении между последним генным сегментом V и предпоследним генным сегментом V; согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность расположена после последнего генного сегмента V и первого генного сегмента D.

[00031] Согласно одному из аспектов предложен самец мыши, в зародышевой линии у которого присутствует нефункциональный эндогенный ген ADAM6 или делеция эндогенного гена ADAM6, при этом спермии указанной мыши способны проходить по маточным трубам самки мыши и оплодотворять яйцеклетку. Согласно одному из вариантов реализации у указанных мышей присутствует экстрахромосомная копия гена ADAM6 мыши, либо его ортолога, гомолога или функционального фрагмента, функционального у мышей-самцов. Согласно одному из вариантов реализации у указанных мышей присутствует эктопический ген ADAM6 мыши, либо его ортолог, гомолог или функциональный фрагмент, функциональный у мышей-самцов.

[00032] Согласно одному из аспектов предложены мыши, у которых присутствует генетическая модификация, снижающая функцию эндогенного ADAM6 мыши, при этом у указанных мышей присутствует по меньшей мере отчасти функционал ADAM6, что обеспечивается либо эндогенным немодифицированным аллелем, функциональным полностью или частично (например, у гетерозигот), либо экспрессией из эктопической последовательности, кодирующей ADAM6 либо его ортолог, гомолог или функциональный фрагмент, функциональный у мышей-самцов.

[00033] Согласно одному из вариантов реализации у указанных мышей присутствует функция ADAM6, достаточная для придания мышам-самцам способности производить потомство посредством спаривания, по сравнению с мышами-самцами, у которых отсутствует функциональный ADAM6. Согласно одному из вариантов реализации

функция ADAM6 обеспечивается присутствием эктопической последовательности нуклеотидов, кодирующей ADAM6 мыши, либо его гомолог, ортолог или функциональный фрагмент. Гомологи или ортологи ADAM6, или фрагменты, функциональные у мышей-самцов, включают компенсирующие, полностью или частично, утрату способности производить потомство, наблюдалась у мышей-самцов, у которых отсутствует достаточная активность эндогенного мышного ADAM6, например, утрату способности, наблюдалась у нокаутных по ADAM6 мышей. В этом смысле ADAM6-нокаутные мыши включают мышей, у которых присутствует эндогенный локус или его фрагмент, но не функциональный, т.е. либо совершенно не экспрессирующий ADAM6 (ADAM6a и/или ADAM6b), либо экспрессирующий ADAM6 (ADAM6a и/или ADAM6b) на уровне, недостаточном для поддержания по существу нормальной способности самцов мыши дикого типа производить потомство. Утрата функции может происходить, например, из-за модификации структурного гена указанного локуса {т.е. кодирующей области ADAM6a или ADAM6b}, или в регуляторной области локуса (например, в последовательности, расположенной в направлении 5' от гена ADAM6a, или в направлении 3' от кодирующей области ADAM6a или ADAM6b, при этом указанная последовательность контролирует, полностью или частично, транскрипцию гена ADAM6, экспрессию РНК ADAM6 или экспрессию белка ADAM6). Согласно различным вариантам реализации ортологи, гомологи или их фрагменты, функциональные у мышей-самцов, представляют собой такие ортологи, гомологи или их фрагменты, которые обеспечивают способность спермы мышей-самцов (или большинству спермии в эякуляте мышей-самцов) проходить через маточные трубы мыши и оплодотворять яйцеклетку мыши.

[00034] Согласно одному из вариантов реализации у мышей-самцов, экспрессирующих вариабельную область иммуноглобулина человека или ее функциональный фрагмент, присутствует достаточная активность ADAM6 для обеспечения способности указанных мышей-самцов производить потомство посредством спаривания с мышами-самками, и, согласно одному из вариантов реализации у указанных мышей-самцов наблюдается способность производить потомство при спаривании с мышами-самками, составляющая согласно одному из вариантов реализации по меньшей мере 25%, согласно одному из вариантов реализации по меньшей мере 30%, согласно одному из вариантов реализации по меньшей мере 40%, согласно одному из вариантов реализации по меньшей мере 50%, согласно одному из вариантов реализации по меньшей мере 60%, согласно одному из вариантов реализации по меньшей мере 70%, согласно одному из вариантов реализации по меньшей мере 80%, согласно одному из вариантов реализации по меньшей мере 90% от такой способности, а согласно одному из вариантов реализации приблизительно равная такой способности мышей с одним или двумя эндогенными немодифицированными аллелями ADAM6.

[00035] Согласно одному из вариантов реализации мыши-самцы экспрессируют достаточно ADAM6 (или его ортолога, гомолога или функционального фрагмента), чтобы обеспечить способность спермии указанных мышей-самцов проходить через маточные трубы самки мыши и оплодотворять яйцеклетку мыши.

[00036] Согласно одному из вариантов реализации функционала ADAM6 обеспечивается последовательностью нукleinовой кислоты, смежной с хромосомной последовательностью мыши (например, указанную нукleinовую кислоту случайным образом встраивают в хромосому мыши; или вводят в конкретный участок, например, направленным встраиванием указанной нукleinовой кислоты в конкретный участок, например, опосредованным сайтом-специфической рекомбиназой (например,

опосредованным Cre) встраиванием или с помощью гомологичной рекомбинации). Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность ADAM6 находится на нуклеиновой кислоте, расположенной вне хромосомы мыши (например, указанная последовательность ADAM6 расположена на эписоме, т.е. экстрахромосомно, например, в экспрессионной конструкции, в векторе, на искусственной дрожжевой хромосоме (YAC), в трансхромосоме и т.п.).

[00037] Согласно одному из аспектов предложены генетически модифицированные мыши и клетки, содержащие модификацию эндогенного локуса тяжелой цепи иммуноглобулина, при этом у указанных мышей экспрессируется по меньшей мере часть последовательности тяжелой цепи иммуноглобулина, например, по меньшей мере часть последовательности человека, при этом у указанных мышей присутствует активность ADAM6, функционального у мышей-самцов. Согласно одному из вариантов реализации указанная модификация уменьшает или элиминирует активность ADAM6 мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанная мышь модифицирована таким образом, что оба аллеля, кодирующие активный ADAM6, отсутствуют либо экспрессируют ADAM6 с недостаточной для поддержания нормального спаривания у мышей-самцов функциональностью. Согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши также присутствует эктопическая последовательность нукleinовой кислоты, кодирующая ADAM6 мыши, либо его ортолог, гомолог или функциональный фрагмент.

[00038] Согласно одному из аспектов предложены генетически модифицированные мыши и клетки, содержащие модификацию эндогенного локуса тяжелой цепи иммуноглобулина, при этом указанная модификация уменьшает или элиминирует активность ADAM6, экспрессируемого из последовательности ADAM6 указанного локуса, и при этом у указанных мышей присутствует белок ADAM6, либо его ортолог, гомолог или функциональный фрагмент. Согласно различным вариантам реализации указанный белок ADAM6 или его фрагмент кодируется эктопической последовательностью ADAM6. Согласно различным вариантам реализации указанный белок ADAM6 или его фрагмент экспрессируется из эндогенного аллеля ADAM6. Согласно различным вариантам реализации указанная мышь содержит первый аллель тяжелой цепи иммуноглобулина, содержащий первую модификацию, которая уменьшает или элиминирует экспрессию функционального ADAM6 из первого аллеля тяжелой цепи иммуноглобулина; также указанная мышь содержит второй аллель тяжелой цепи иммуноглобулина, который содержит вторую модификацию, существенно не снижающую или не подавляющую полностью экспрессию функционального ADAM6 из второго аллеля тяжелой цепи иммуноглобулина.

[00039] Согласно одному из вариантов реализации вторая модификация расположена в направлении 3' (относительно направленности транскрипции генного сегмента V мыши) от последнего генного сегмента V мыши и в направлении 5' (относительно направленности транскрипции последовательности константной области) от гена константной области тяжелой цепи иммуноглобулина мыши (или гибридного гена человека/мыши) или его фрагмента (например, последовательности нуклеиновой кислоты, кодирующей: С_H1, и/или шарнир, и/или С_H2, и/или С_H3 человека и/или мыши).

[00040] Согласно одному из вариантов реализации указанная модификация присутствует в первом аллеле тяжелой цепи иммуноглобулина в первом локусе, кодирующем первый аллель ADAM6, а функция ADAM6 обусловлена экспрессией эндогенного ADAM6 из второго аллеля тяжелой цепи иммуноглобулина во втором локусе, кодирующем функциональный ADAM6, причем указанный второй аллель

тяжелой цепи иммуноглобулина содержит по меньшей мере одну модификацию генного сегмента V, D и/или J. Согласно конкретному варианту реализации указанная по меньшей мере одна модификация генного сегмента V, D, и/или J представляет собой удаление, замену на генный сегмент V, D и/или J человека, замену на генный сегмент V, D и/или J верблюдовых, замену на гуманизированный или «камелизированный» генный сегмент V, D и/или J, замену последовательности тяжелой цепи на последовательность легкой цепи, и их комбинации. Согласно одному из вариантов реализации указанная по меньшей мере одна модификация представляет собой удаление одного или более генных сегментов V, D и/или J тяжелой цепи и замене одной или более генных сегментов V и/или J легкой цепи (например, генного сегмента V и/или J легкой цепи человека) в указанном локусе тяжелой цепи.

[00041] Согласно одному из вариантов реализации указанная модификация присутствует в первом аллеле тяжелой цепи иммуноглобулина в первом локусе, и втором аллеле тяжелой цепи иммуноглобулина во втором локусе, и функция ADAM6 15 обусловлена экспрессией эктопического ADAM6 в не-иммуноглобулиновом локусе в зародышевой линии мыши. Согласно конкретному варианту реализации указанный не-иммуноглобулиновый локус представляет собой локус ROSA26. Согласно конкретному варианту реализации указанный не-иммуноглобулиновый локус транскрипционно активен в репродуктивной ткани.

[00042] Согласно одному из аспектов предложена мышь, гетерозиготная или гомозиготная по нокауту ADAM6. Согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши также присутствует модифицированная последовательность иммуноглобулина, представляющая собой последовательность иммуноглобулина человека, или последовательность гуманизированного иммуноглобулина, или 20 последовательность иммуноглобулина верблюдовых, или последовательность «камелизированного» иммуноглобулина человека, или последовательность иммуноглобулина мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанная модифицированная последовательность иммуноглобулина находится в эндогенном локусе тяжелой цепи иммуноглобулина мыши. Согласно одному из вариантов реализации 25 указанная модифицированная последовательность иммуноглобулина включает последовательность вариабельных генов тяжелой цепи человека в эндогенном локусе тяжелой цепи иммуноглобулина мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность вариабельных генов тяжелой цепи человека замещает эндогенную последовательность вариабельных генов тяжелой цепи мыши в эндогенном 30 локусе тяжелой цепи иммуноглобулина мыши.

[00043] Согласно одному из аспектов предложена мышь, неспособная к осуществлению экспрессии функционального эндогенного ADAM6 мыши из эндогенного локуса ADAM6 мыши. Согласно одному из вариантов реализации у мыши присутствует эктопическая последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующая ADAM6, или его 40 функциональный фрагмент, функциональный у указанной мыши. Согласно конкретному варианту реализации указанная эктопическая последовательность нуклеиновой кислоты кодирует белок, восстанавливающий утраченную способность производить потомство, наблюданную у самца мыши, гомозиготного по нокауту ADAM6. Согласно конкретному варианту реализации указанная эктопическая последовательность нуклеиновой кислоты 45 кодирует мышний белок ADAM6.

[00044] Согласно одному из аспектов предложена мышь, у которой отсутствует функциональный эндогенный локус ADAM6, и у которой присутствует эктопическая последовательность нуклеиновой кислоты, обеспечивающая функцию ADAM6 мыши.

Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность нуклеиновой кислоты содержит эндогенную последовательность ADAM6 мыши или его функциональный фрагмент. Согласно одному из вариантов реализации указанная эндогенная последовательность ADAM6 мыши содержит ADAM6a- и ADAM6b-

5 кодирующую последовательность, расположенную у мыши дикого типа между крайним с 3'-стороны генным сегментом V тяжелой цепи (V_H) иммуноглобулина мыши и крайним с 5'-стороны генным сегментом D тяжелой цепи (D_H) иммуноглобулина мыши.

[00045] Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность нуклеиновой кислоты включает последовательность, кодирующую ADAM6a мыши или его функциональный фрагмент и/или а последовательность, кодирующую ADAM6b мыши или его функциональный фрагмент, при этом указанный(е) ADAM6a и/или ADAM6b или функциональный(е) фрагмент(ы) функционально связан(ы) с промотором. Согласно одному из вариантов реализации указанный промотор представляет собой промотор человека. Согласно одному из вариантов реализации указанный промотор представляет собой промотор ADAM6 мыши. Согласно конкретному варианту реализации указанный промотор ADAM6 содержит последовательность, расположенную между первым кодоном первого гена ADAM6 ближайшим к крайнему с 5'-стороны генному сегменту D_H мыши, и последовательностью сигнала рекомбинации крайнего 20 с 5'-стороны D_H генного сегмента, где 5'-сторона определяется направлением транскрипции генов иммуноглобулина мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанный промотор представляет собой вирусный промотор. Согласно конкретному варианту реализации указанный вирусный промотор представляет собой цитомегаловирусный (CMV) промотор. Согласно одному из вариантов реализации 25 указанный промотор представляет собой убиквитиновый промотор.

[00046] Согласно одному из вариантов реализации указанный промотор представляет собой индуцируемый промотор. Согласно одному из вариантов реализации указанный индуцируемый промотор регулирует экспрессию в не-репродуктивных тканях. Согласно одному из вариантов реализации указанный индуцируемый промотор регулирует 30 экспрессию в репродуктивных тканях. Согласно конкретному варианту реализации экспрессия последовательностей ADAM6a, и/или ADAM6b мыши, или их функциональных фрагментов регулируется в процессе развития указанным индуцируемым промотором в репродуктивных тканях.

[00047] Согласно одному из вариантов реализации указанные ADAM6a и/или ADAM6b мыши выбраны из ADAM6a согласно SEQ ID NO:1 и/или ADAM6b согласно 35 последовательности SEQ ID NO:2. Согласно одному из вариантов реализации промотор ADAM6 мыши представляет собой промотор согласно SEQ ID NO:3. Согласно конкретному варианту реализации указанный промотор ADAM6 мыши включает последовательность нуклеиновой кислоты согласно SEQ ID NO:3, начинающуюся 40 непосредственно после первого кодона ADAM6a в 5' направлении (относительно направления транскрипции ADAM6a) и продолжающуюся до конца SEQ ID NO:3 в 5'-направлении от кодирующей области ADAM6. Согласно другому конкретному варианту реализации указанный промотор ADAM6 представляет собой фрагмент, начинающийся в пределах приблизительно 5-20 нуклеотидов в 5'-направлении от стартового кодона 45 ADAM6a и продолжающийся на протяжении приблизительно 0,5 т.н., 1 т.н., 2 т.н., или 3 т.н. или более в 5'-направлении от стартового кодона ADAM6a.

[00048] Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность нуклеиновой кислоты содержит SEQ ID NO:3 или ее фрагмент, введение которой(го) в

организм мыши, бесплодной или имеющей низкую фертильность, обусловленную недостатком ADAM6, увеличивает фертильность или восстанавливает фертильность приблизительно до уровня фертильности дикого типа. Согласно одному из вариантов реализации SEQ ID NO:3 или ее фрагмент придает самцу мыши способность произвести спермий, способный пройти через маточные трубы самки мыши для оплодотворения мышиной яйцеклетки.

[00049] Согласно одному из аспектов предложена мышь, у которой удалена эндогенная последовательность нуклеотидов, кодирующая белок ADAM6, заменен эндогенный генный сегмент V_H мыши на генный сегмент V_H человека, и присутствует эктопическая последовательность нуклеотидов, кодирующая мышиный белок ADAM6, либо его ортолог, гомолог или фрагмент, функциональный у мышей-самцов.

[00050] Согласно одному из вариантов реализации указанная мышь содержит локус тяжелой цепи иммуноглобулина с удаленной нуклеотидной последовательностью локуса эндогенного иммуноглобулина, которая содержит эндогенный ген ADAM6; содержит последовательность нуклеотидов, кодирующую один или более сегментов гена иммуноглобулина человека; и при этом эктопическая последовательность нуклеотидов, кодирующая белок ADAM6 мыши, находится в составе или в непосредственной близости от последовательности нуклеотидов, кодирующей указанные один или более сегментов гена иммуноглобулина человека.

[00051] Согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши все или по существу все эндогенные генные сегменты V_H заменены последовательностью нуклеотидов, кодирующей один или более генных сегментов V_H человека, и эктопическая последовательность нуклеотидов, кодирующая белок ADAM6 мыши, находится в составе или в непосредственной близости от последовательности нуклеотидов, кодирующей указанный один или более генных сегментов V_H человека. Согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши также заменены один или более эндогенных генных сегментов D_H одним или более генными сегментами D_H человека в эндогенном локусе гена D_H . Согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши также заменены один или более эндогенные генные сегменты J_H одним или более генными сегментами J_H человека в локусе эндогенного J_H гена. Согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши заменены все или по существу все эндогенные генные сегменты V_H , D_H и J_H ; и присутствуют замены на генные сегменты V_H , D_H и J_H человека в эндогенных локусах генов V_H , D_H , и J_H , при этом указанная мышь содержит эктопическая последовательность, кодирующая мышиный белок ADAM6. Согласно конкретному варианту реализации указанная эктопическая последовательность, кодирующая белок ADAM6 мыши, расположена между предпоследним с 3'-конца V_H генным сегментом присутствующих генных сегментов V_H человека, и последним с 3'-конца V_H генным сегментом присутствующих генных сегментов V_H человека. Согласно конкретному варианту реализации у указанной мыши удалены все или по существу все генные сегменты V_H мыши, и заменены на все или практически все генные сегменты V_H человека, и эктопическая последовательность нуклеотидов, кодирующая белок ADAM6 мыши, расположена в 3'-направлении от генного сегмента V_H1-2 человека и в 5'-направлении от генного сегмента V_H6-1 человека.

[00052] Согласно конкретному варианту реализации у указанной мыши все или по

существу все эндогенные генные сегментов V_H заменены последовательностью нуклеотидов, кодирующей один или более генных сегментов V_H человека, и эктопическая последовательность нуклеотидов, кодирующая белок ADAM6 мыши находится в составе или в непосредственной близости от последовательности нуклеотидов, кодирующей 5 указанный один или более генных сегментов V_H человека.

[00053] Согласно одному из вариантов реализации указанная эктопическая последовательность нуклеотидов, кодирующая белок ADAM6 мыши, находится в 10 геноме мыши на трансгене. Согласно одному из вариантов реализации указанная эктопическая последовательность нуклеотидов, кодирующая белок ADAM6 мыши, расположена у указанной мыши экстрахромосомно.

[00054] Согласно одному из аспектов предложена мышь, у которой присутствует 15 модификация эндогенного локуса тяжелой цепи иммуноглобулина, при этом указанная мышь экспрессирует В-клетку, которая содержит реаранжированную последовательность иммуноглобулина, функционально связанную с 20 последовательностью гена константной области тяжелой цепи, и указанная В-клетка содержит в геноме (например, на хромосоме В-клетки) ген, кодирующий ADAM6, либо его ортолог, гомолог или фрагмент, функциональный у мышей-самцов. Согласно одному из вариантов реализации указанная реаранжированная последовательность 25 иммуноглобулина, функционально связанная с последовательностью гена константной области тяжелой цепи, включает последовательность V, D, и/или J тяжелой цепи человека; последовательность V, D, и/или J тяжелой цепи мыши; последовательность легкой цепи V и/или J человека или мыши. Согласно одному из вариантов реализации 30 указанная последовательность гена константной области тяжелой цепи включает последовательность тяжелой цепи человека или мыши, выбранную из группы, состоящей из C_H1 , шарнира, C_H2 , C_H3 и их комбинации.

[00055] Согласно одному из аспектов предложена генетически модифицированная мышь, отличающаяся тем, что указанная мышь содержит молчащий ген легкой цепи иммуноглобулина, а также заменены один или более эндогенные генные сегменты 35 вариабельной области тяжелой цепи иммуноглобулина одним или более генными сегментами вариабельной области тяжелой цепи иммуноглобулина человека, при этом у указанной мыши отсутствует функциональный эндогенный локус ADAM6, и тем, что указанная мышь содержит эктопическая последовательность нуклеотидов, экспрессирующая белок ADAM6 мыши или его ортолог, гомолог или фрагмент, 40 функциональный у мышей-самцов.

[00056] Согласно одному из аспектов предложена мышь, у которой отсутствует функциональный(ая) эндогенный(ая) локус или последовательность ADAM6 мыши, и присутствует эктопическая последовательность нуклеотидов, кодирующая локус ADAM6 мыши или функциональный фрагмент локуса или последовательности ADAM6 мыши, 45 при этом указанная мышь способна спариваться с мышью противоположного пола с получением потомства, у которого присутствует эктопический(ая) локус или последовательность ADAM6. Согласно одному из вариантов реализации указанная мышь является самцом. Согласно одному из вариантов реализации указанная мышь является самкой.

[00057] Согласно одному из аспектов предложена генетически модифицированная мышь, отличающаяся тем, что у указанной мыши присутствует генный сегмент вариабельной области тяжелой цепи иммуноглобулина человека в эндогенном локусе гена вариабельной области тяжелой цепи иммуноглобулина мыши; отсутствует 50

функциональная последовательность ADAM6 в эндогенном локусе гена вариабельной области тяжелой цепи иммуноглобулина мыши, и при этом указанная мышь содержит эктопическая последовательность нуклеотидов, экспрессирующая белок ADAM6 мыши или его ортолог, гомолог или фрагмент, функциональный у мышей-самцов.

⁵ [00058] Согласно одному из вариантов реализации эктопическая последовательность нуклеотидов, экспрессирующая белок ADAM6 мыши, является экстрахромосомной. Согласно одному из вариантов реализации эктопическая последовательность нуклеотидов, экспрессирующая белок ADAM6 мыши, встроена в один или более локусов в геноме мыши. Согласно конкретному варианту реализации указанный один или более ¹⁰ локусов включает локус иммуноглобулина.

[00059] Согласно одному из аспектов предложена мышь, экспрессирующая последовательность тяжелой цепи иммуноглобулина из модифицированного эндогенного локуса тяжелой цепи иммуноглобулина мыши, при этом указанную тяжелую цепь получают из генного сегмента V, D генного сегмента, и J генного сегмента человека, ¹⁵ при этом у указанной мыши присутствует активность ADAM6, функционального у указанной мыши.

[00060] Согласно одному из вариантов реализации указанная мышь содержит совокупность генных сегментов V человека, совокупность генных сегментов D и совокупность генных сегментов J. Согласно одному из вариантов реализации указанные ²⁰ генные сегменты D представляют собой генные сегменты D человека. Согласно одному из вариантов реализации указанные сегменты J представляют собой генные сегменты J человека. Согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши также присутствует гуманизированная последовательность константной области тяжелой цепи, при этом указанная гуманизация включает замену последовательности, выбранной ²⁵ из С_H1, шарнира, С_H2, С_H3 и их комбинации. Согласно конкретному варианту реализации указанную тяжелую цепь получают из генного сегмента V человека, генного сегмента D человека, генного сегмента J человека, последовательности С_H1 человека, последовательности шарнира человека или мыши, последовательности С_H2 мыши и ³⁰ последовательности С_H3 мыши. Согласно другому конкретному варианту реализации у указанной мыши также присутствует последовательность константной области легкой цепи человека.

[00061] Согласно одному из вариантов реализации указанный генный сегмент D фланкирован с 5' стороны (в отношении направленности транскрипции указанного ³⁵ генного сегмента D) последовательностью, кодирующей активность ADAM6, функционального у указанной мыши.

[00062] Согласно одному из вариантов реализации активность ADAM6, функциональная у указанной мыши, обусловлена экспрессией последовательности нуклеотидов, расположенной в направлении 5' от крайнего с 5'-стороны D генного ⁴⁰ сегмента и в направлении 3' от крайнего с 3'-стороны генного сегмента V (относительно направления транскрипции генного сегмента V) модифицированного эндогенного локуса тяжелой цепи иммуноглобулина мыши.

[00063] Согласно одному из вариантов реализации активность ADAM6, функциональная у указанной мыши, обусловлена экспрессией последовательности нуклеотидов, расположенной между двумя генными сегментами V человека в ⁴⁵ модифицированном эндогенном локусе тяжелой цепи иммуноглобулина мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанные два генных сегмента V человека представляют собой генный сегмент V_H1-2 человека и генный сегмент V_H6-1.

[00064] Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность нуклеотидов содержит последовательность, выбранную из последовательности ADAM6b мыши или ее функционального фрагмента, последовательности ADAM6 мыши или ее функционального фрагмента, и их комбинации.

⁵ [00065] Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность нуклеотидов между двумя генными сегментами V человека ориентирована в направлении, противоположном направлению транскрипции указанных генных сегментов V человека. Согласно конкретному варианту реализации последовательность нуклеотидов кодирует в направлении 5'→3' относительно направления транскрипции ¹⁰ генов ADAM6, и за последовательностью ADAM6a следует последовательность ADAM6b.

[00066] Согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши последовательность псевдогена ADAM6 человека между генными сегментами V_H1-2 и V_H6-1 человека заменена на последовательность ADAM6 мыши или ее функциональный фрагмент.

¹⁵ [00067] Согласно одному из вариантов реализации последовательность, кодирующая активность ADAM6, функционального у указанной мыши, представляет собой последовательность ADAM6 мыши или его функционального фрагмента.

²⁰ [00068] Согласно одному из вариантов реализации указанная мышь содержит эндогенный мышиный генный сегмент DFL16.1 (например, у мыши, гетерозиготной по модифицированному локусу тяжелой цепи эндогенного иммуноглобулина мыши) или генный сегмент D_H1-1 человека. Согласно одному из вариантов реализации указанный D генный сегмент тяжелой цепи иммуноглобулина, экспрессируемый у мыши, получают из эндогенного мышного DFL16.1 генного сегмента или генного сегмента D_H1-1 ²⁵ человека.

[00069] Согласно одному из аспектов предложена мышь, у которой присутствует последовательность нукleinовой кислоты, кодирующая ADAM6 мыши (или его гомолог, ортолог или функциональный фрагмент) в ДНК-содержащей клетке нереаранжированной В-клеточной линии, но не присутствует последовательность ³⁰ нукleinовой кислоты, кодирующая ADAM6 мыши (или его гомолог, ортолог или функциональный фрагмент) в В-клетке, содержащей реаранжированные иммуноглобулиновые локусы; при этом указанная последовательность нукleinовой кислоты, кодирующая ADAM6 мыши (или его гомолог, ортолог или функциональный фрагмент) находится в геноме в положении, отличном от положения гена ADAM6 ³⁵ мыши у мыши дикого типа. Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность нукleinовой кислоты, кодирующая ADAM6 мыши (или его гомолог, ортолог или функциональный фрагмент) присутствует во всех или по существу во всех ДНК-содержащих клетках, не принадлежащих реаранжированной В-клеточной линии; согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность нукleinовой ⁴⁰ кислоты присутствует в клетках зародышевой линии мыши, но не в хромосоме реаранжированной В-клетки.

[00070] Согласно одному из аспектов предложена мышь, у которой присутствует последовательность нукleinовой кислоты, кодирующая ADAM6 мыши (или его гомолог, ортолог или функциональный фрагмент) во всех или по существу во всех ДНК- ⁴⁵ содержащих клетках, включая В-клетки, содержащие реаранжированные иммуноглобулиновые локусы; при этом указанная последовательность нукleinовой кислоты, кодирующая ADAM6 мыши (или его гомолог, ортолог или функциональный фрагмент) находится в геноме в положении, отличном от положения гена ADAM6

мыши у мыши дикого типа. Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующая ADAM6 мыши (или его гомолог, ортолог или функциональный фрагмент), расположена на нуклеиновой кислоте, смежной с указанным реаранжированным иммуноглобулиновым локусом. Согласно одному из вариантов реализации указанная нуклеиновая кислота, смежная с указанным реаранжированным иммуноглобулиновым локусом, представляет собой хромосому. Согласно одному из вариантов реализации указанная хромосома представляет собой хромосому, обнаруживаемую у мыши дикого типа, и указанная хромосома содержит модификацию иммуноглобулинового локуса мыши.

[00071] Согласно одному из аспектов предложена генетически модифицированная мышь, отличающаяся тем, что указанная мышь содержит В-клетку, которая содержит в геноме последовательность ADAM6 или ее ортолог или гомолог. Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность ADAM6 или ее ортолог или гомолог располагается в локусе тяжелой цепи иммуноглобулина. Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность ADAM6 или ее ортолог или гомолог располагается в локусе, не являющемся иммуноглобулиновым локусом. Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность ADAM6 располагается на трансгене, управляемом гетерологичным промотором. Согласно конкретному варианту реализации указанный гетерологичный промотор представляет собой не-иммуноглобулиновый промотор. Согласно конкретному варианту реализации В-клетка экспрессирует белок ADAM6 или его ортолог или гомолог.

[00072] Согласно одному из вариантов реализации в 90% или более В-клеток указанных мышей присутствует ген, кодирующий белок ADAM6, или его ортолог, его гомолог или его фрагмент, функциональный у указанной мыши. Согласно конкретному варианту реализации указанная мышь представляет собой самца мыши.

[00073] Согласно одному из вариантов реализации геном В-клетки содержит первый аллель и второй аллель, включающие последовательность ADAM6 или ее ортолог или гомолог. Согласно одному из вариантов реализации геном В-клетки содержит первый аллель, но не второй аллель, содержащий указанную последовательность ADAM6 или ее ортолог или гомолог.

[00074] Согласно одному из аспектов предложена мышь, у которой присутствует модификация в одном или более эндогенных аллелей ADAM6.

[00075] Согласно одному из вариантов реализации указанная модификация придает мыши неспособность к экспрессии функционального белка ADAM6 по меньшей мере из одного из указанных одного или более эндогенных аллелей ADAM6. Согласно конкретному варианту реализации мышь неспособна к экспрессии функционального белка ADAM6 из каждого из эндогенных аллелей ADAM6.

[00076] Согласно одному из вариантов реализации мыши неспособны к экспрессии функционального белка ADAM6 из каждого эндогенного аллеля ADAM6, и у указанных мышей присутствует эктопическая последовательность ADAM6.

[00077] Согласно одному из вариантов реализации мыши неспособны к экспрессии функционального белка ADAM6 из каждого эндогенного аллеля ADAM6, и у указанных мышей присутствует эктопическая последовательность ADAM6, расположенная в пределах 1, 2, 3, 4, 5, 10, 20, 30, 40, 50, 60, 70, 80, 90, 100, 110 или 120 или более т.н. в 5' направлении (относительно направления транскрипции локуса тяжелой цепи мыши). Согласно конкретному варианту реализации указанная эктопическая последовательность ADAM6 находится в эндогенном локусе тяжелой цепи

иммуноглобулина (например, в межгенной V-D области, между двумя генными сегментами V, между генными сегментами V и D, между генными сегментами D и J, и т.п.). Согласно конкретному варианту реализации указанная эктопическая последовательность ADAM6 расположена в пределах 90-100 т.н. межгенной

5 последовательности между последним генным сегментом V мыши и первым генным сегментом D мыши. Согласно другому конкретному варианту реализации указанную эндогенную 90-100 т.н. межгенную V-D последовательность удаляют, и эктопическая последовательность ADAM6 располагается между последним V и первым D генными сегментами.

10 [00078] Согласно одному из аспектов предложен бесплодный самец мыши, отличающийся тем, что указанная мышь содержит делецию двух или более эндогенных аллелей ADAM6. Согласно одному из аспектов предложена самка мыши, представляющая собой носителя признака бесплодности самцов, отличающаяся тем, что в зародышевой линии указанной самки мыши присутствует нефункциональный 15 аллель ADAM6, или нокаутированный эндогенный аллель ADAM6.

[00079] Согласно одному из аспектов предложена мышь, у которой отсутствует эндогенный генный сегмент V, D и J тяжелой цепи иммуноглобулина, при этом большинство В-клеток указанной мыши содержат последовательность ADAM6 или ее ортолог или гомолог.

20 [00080] Согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши отсутствуют генные сегменты тяжелой цепи эндогенного иммуноглобулина, выбранные из двух или более генных сегментов V, двух или более генных сегментов D, двух или более генных сегментов J, и их комбинации. Согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши отсутствуют генные сегменты тяжелой цепи иммуноглобулина, выбранные из 25 по меньшей мере 1-89 генных сегментов V, по меньшей мере 1-13 генных сегментов D, по меньшей мере 1-4 генных сегментов J, и их комбинации. Согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши отсутствует фрагмент геномной ДНК из хромосомы 12, включающий приблизительно три мегабазы эндогенного локуса тяжелой 30 цепи иммуноглобулина. Согласно конкретному варианту реализации у указанной мыши отсутствуют все функциональные эндогенные генные сегменты V, D и J тяжелой цепи. Согласно конкретному варианту реализации у указанной мыши отсутствуют 89 генных сегмента V_H, 13 генных сегментов D_H и четыре генных сегмента J_H.

[00081] Согласно одному из аспектов предложена мышь, отличающаяся тем, что геном зародышевой линии указанной мыши содержит модификацию локуса тяжелой 35 цепи иммуноглобулина, при этом указанная модификация в локусе тяжелой цепи иммуноглобулина включает замену одной или более последовательностей вариабельной области иммуноглобулина мыши на одну или более последовательностей вариабельной области не происходящего от мыши иммуноглобулина, и при этом указанная мышь содержит последовательность нукleinовой кислоты, кодирующая белок ADAM6 мыши.

40 Согласно предпочтительному варианту реализации указанные последовательности D_H и J_H и по меньшей мере 3, по меньшей мере 10, по меньшей мере 20, по меньшей мере 40, по меньшей мере 60, или по меньшей мере 80 последовательностей V_H локуса тяжелой цепи иммуноглобулина заменяют последовательностями вариабельной области не

45 происходящего от мыши иммуноглобулина. Согласно еще одному предпочтительному варианту реализации указанные D_H, J_H, и все V_H последовательности локуса тяжелой цепи иммуноглобулина заменяют последовательностями вариабельной области иммуноглобулина, не происходящего от мыши. Указанные последовательности

вариабельной области иммуноглобулина, не происходящего от мыши, могут быть переаранжированными. Согласно предпочтительному варианту реализации указанные последовательности вариабельной области иммуноглобулина не происходящего от мыши включают полные переаранжированные D_H и J_H области и по меньшей мере 3,
 5 по меньшей мере 10, по меньшей мере 20, по меньшей мере 40, по меньшей мере 60, или по меньшей мере 80 переаранжированных последовательностей V_H указанного не являющегося мышью вида. Согласно еще одному предпочтительному варианту реализации последовательности вариабельной области иммуноглобулина не происходящего от мыши включают вариабельную область полностью, в том числе все
 10 V_H, D_H, и J_H области, указанного не являющегося мышью вида. Вид, не являющийся мышью, может представлять собой Homo sapiens, а указанные последовательности вариабельной области иммуноглобулина не происходящего от мыши могут представлять собой последовательности человека.

[00082] Согласно одному из аспектов предложена мышь, экспрессирующая антитело, которое содержит по меньшей мере один вариабельный домен полипептида иммуноглобулина человека/константный домен полипептида иммуноглобулина не происходящий от человека, при этом указанная мышь экспрессирует белок ADAM6 мыши или его ортолог или гомолог из локуса, отличного от иммуноглобулинового локуса.
 15

[00083] Согласно одному из вариантов реализации белок ADAM6 или его ортолог или гомолог экспрессируется в В-клетке мыши, причем указанная В-клетка содержит реаранжированную последовательность иммуноглобулина, которая содержит а вариабельная последовательность человека и константную последовательность не
 20 происходящую от человека.

[00084] Согласно одному из вариантов реализации константная последовательность не происходящая от человека представляет собой последовательность грызуна. Согласно одному из вариантов реализации указанный грызун выбран из мыши, крысы и хомяка.

[00085] Согласно одному из аспектов предложен способ получения бесплодного самца-мыши, включающий перевод эндогенного аллеля ADAM6 донорской ЭС-клетки в нефункциональное состояние (или нокаутирование указанного аллеля), введение указанной донорской ЭС-клетки в эмбрион хозяина, вынашивание эмбриона хозяина с помощью суррогатной матери, и обеспечение рождения суррогатной матерью потомства, происходящего полностью или частично из указанной донорской ЭС клетки. Согласно одному из вариантов реализации указанный способ также включает размножение
 30 потомства с получением бесплодного самца-мыши.

[00086] Согласно одному из аспектов предложен способ получения мыши с представляющей интерес генетической модификацией, при этом указанная мышь бесплодна; указанный способ включает этапы (а) получения представляющей интерес генетической модификации генома; (б) модифицирование указанного генома с нокаутированием эндогенного аллеля ADAM6, или обеспечение нефункциональности эндогенного аллеля ADAM6; и (с) применение указанного генома для получения мыши. Согласно различным вариантам реализации геном происходит из ЭС-клетки или его
 40 используют для экспериментальной ядерной передачи.

[00087] Согласно одному из аспектов предложена мышь, получаемая с применением направленного вектора, нуклеотидной конструкции или клетки согласно настоящему описанию.

[00088] Согласно одному из аспектов предложено потомство мыши согласно

настоящему описанию, спаривающейся со второй мышью, представляющей собой мышь дикого типа или генетически модифицированные.

[00089] Согласно одному из аспектов предложен способ поддержания линии мышей, причем у указанной линии мышей последовательность тяжелой цепи иммуноглобулина мыши заменена одной или более гетерологичными последовательностями тяжелой цепи иммуноглобулина. Согласно одному из вариантов реализации указанная одна или более гетерологичных последовательностей тяжелой цепи иммуноглобулина представляют собой последовательность(и) тяжелой цепи иммуноглобулина человека.

[00090] Согласно одному из вариантов реализации у указанной линии мышей удален один или более генных сегментов V_H , D_H и/или J_H мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанная мышь дополнительно содержит один или более генных сегментов V_H человека, один или более генных сегментов D_H человека, и/или один или более генных сегментов J_H человека. Согласно одному из вариантов реализации указанная мышь содержит по меньшей мере 3, по меньшей мере 10, по меньшей мере 20, по меньшей мере 40, по меньшей мере 60, или по меньшей мере 80 сегментов V_H человека, по меньшей мере 27 генных сегментов D_H человека и по меньшей мере шесть генных сегментов J_H . Согласно конкретному варианту реализации указанная мышь содержит по меньшей мере 3, по меньшей мере 10, по меньшей мере 20, по меньшей мере 40, по меньшей мере 60, или по меньшей мере 80 сегментов V_H человека; указанные по меньшей мере 27 генных сегмента D_H человека и указанные по меньшей мере шесть генных сегментов J_H функционально связаны с геном константной области. Согласно одному из вариантов реализации указанный ген константной области представляет собой ген константной области мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанный ген константной области включает последовательность гена константной области мыши, выбранного из C_H1 , шарнира, C_H2 , C_H3 и/или C_H4 , или их комбинации.

[00091] Согласно одному из вариантов реализации указанный способ включает получение самца мыши, гетерозиготного по замене последовательности тяжелой цепи иммуноглобулина мыши, и скрещивание указанного гетерозиготного самца мыши с самкой мыши дикого типа, либо самкой мыши, гомозиготной или гетерозиготной по указанной последовательности тяжелой цепи человека. Согласно одному из вариантов реализации указанный способ включает поддержание линии посредством систематического скрещивания гетерозиготных самцов с самками дикого типа, либо гомозиготных или гетерозиготных по указанной последовательности тяжелой цепи человека.

[00092] Согласно одному из вариантов реализации указанный способ включает получение клеток от самцов или самок мыши, гомозиготных или гетерозиготных по последовательности тяжелой цепи человека, и использование указанных клеток в качестве донорских клеток, либо из ядер в качестве донорских ядер, и применение указанных клеток или ядер для получения генетически модифицированных животных с применением клеток-хозяев и/или вынашивания указанных клеток и/или ядер суррогатными матерями.

[00093] Согласно одному из вариантов реализации только мыши-самцы, гетерозиготные по замене в указанном локусе тяжелой цепи, скрещиваются с мышами-самками. Согласно конкретному варианту реализации указанные мыши-самки гомозиготны, гетерозиготны или относятся к дикому типу в отношении замещенного локуса тяжелой цепи.

[00094] Согласно одному из вариантов реализации у мыши также заменена последовательность вариабельной области λ и/или к легкой цепи в эндогенном локусе легкой цепи иммуноглобулина гетерологичной последовательностью легкой цепи иммуноглобулина. Согласно одному из вариантов реализации указанные гетерологичные 5 последовательности легкой цепи иммуноглобулина представляют собой последовательности вариабельной области λ и/или к легкой цепи иммуноглобулина человека.

[00095] Согласно одному из вариантов реализации у мыши также присутствует трансген в локусе, отличном от эндогенного локуса иммуноглобулина, при этом 10 указанный трансген содержит последовательность, кодирующую реаранжированную или нереаранжированную гетерологичную последовательность легкой цепи λ или к (например, переаранжированный V_L и переаранжированный J_L , или реаранжированный VJ) функционально связанную (для переаранжированной) или слитую (для реаранжированной) с последовательностью константной области легкой цепи 15 иммуноглобулина. Согласно одному из вариантов реализации указанная гетерологичная последовательность λ или к легкой цепи является человеческой. Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность константной области выбрана из таковых грызунов, человека и не являющихся человеком приматов. Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность константной области выбрана 20 из таковых мыши, крысы и хомяка. Согласно одному из вариантов реализации указанный трансген содержит не-иммуноглобулиновый промотор, управляющий экспрессией последовательностей легкой цепи. Согласно конкретному варианту реализации указанный промотор представляет собой транскрипционно активный промотор. Согласно конкретному варианту реализации указанный промотор 25 представляет собой промотор ROSA26.

[00096] Согласно одному из аспектов предложена конструкция нуклеиновой кислоты, содержащая 5'-плечо гомологии и 3'-плечо гомологии, при этом указанное 5'-плечо гомологии содержит последовательность, идентичную или по существу идентичную 30 последовательности вариабельной области тяжелой цепи иммуноглобулина человека; указанное 3'-плечо гомологии содержит последовательность, идентичную или по существу идентичную последовательности вариабельной области иммуноглобулина человека или мыши, а между указанными 5'- и 3'-плечами гомологии расположена последовательность, содержащая последовательность нуклеотидов, кодирующая мышиный белок ADAM6. Согласно конкретному варианту реализации 35 последовательность, кодирующая ген ADAM6 мыши, функционально связана с промотором мыши, с которым связан ADAM6 мыши у мышей дикого типа.

[00097] Согласно одному из аспектов предложен направленный вектор, содержащий (а) последовательность нуклеотидов, идентичную или по существу идентичную 40 последовательности нуклеотидов генного сегмента вариабельной области человека; и, (б) последовательность нуклеотидов, кодирующую ADAM6 мыши, либо его ортолог, гомолог или фрагмент, функциональный у мыши.

[00098] Согласно одному из вариантов реализации указанный направленный вектор также содержит промотор, функционально связанный с последовательностью, кодирующей ADAM6 мыши. Согласно конкретному варианту реализации указанный 45 промотор представляет собой промотор ADAM6 мыши.

[00099] Согласно одному из аспектов предложена нуклеотидная конструкция для модификации локуса вариабельной области тяжелой цепи иммуноглобулина мыши, при этом указанная конструкция содержит по меньшей мере один участок распознавания

сайт-специфической рекомбиназой и последовательность, кодирующую белок ADAM6, либо его ортолог, гомолог или фрагмент, функциональный у мыши.

[000100] Согласно одному из аспектов предложены клетки мыши и эмбрионы мыши, включая, но не ограничиваясь перечисленными, ЭС-клетки, плюрипотентные клетки и индуцированные плюрипотентные клетки, содержащие генетические модификации согласно описанию в настоящей заявке. Предложены XX-клетки и XY-клетки. Также предложены клетки, содержащие ядро, где присутствует модификация согласно настоящему описанию, например, модификация, внесенная в клетку посредством пронуклеарной инъекции. Также предложены клетки, эмбрионы и мыши, у которых присутствует введенный с помощью вируса ген ADAM6, например, клетки, эмбрионы и мыши, в/у которых присутствует трансдукционная конструкция, содержащая ген ADAM6, функциональный у мыши.

[000101] Согласно одному из аспектов предложена генетически модифицированная клетка мыши, отличающаяся тем, что в указанной клетке отсутствует функциональный эндогенный локус ADAM6 мыши, и указанная клетка содержит эктопическую последовательность нуклеотидов, кодирующую белок ADAM6 мыши или его функциональный фрагмент. Согласно одному из вариантов реализации указанная клетка также содержит модификацию эндогенной последовательности вариабельных генов тяжелой цепи иммуноглобулина. Согласно конкретному варианту реализации указанная модификация эндогенной последовательности вариабельных генов тяжелой цепи иммуноглобулина включает удаление, выбранное из удаления генного сегмента V_H мыши, удаления генного сегмента D_H мыши, удаления генного сегмента J_H мыши и их комбинации. Согласно конкретному варианту реализации у мыши присутствует замена одной или более последовательностей V_H , D_H и/или J_H иммуноглобулина мыши последовательностями иммуноглобулина человека. Согласно конкретному варианту реализации указанная последовательность иммуноглобулина человека выбрана из V_H человека, V_L человека, D_H человека, J_H человека, J_L человека и их комбинации.

[000102] Согласно одному из вариантов реализации указанная клетка представляет собойtotипotentную клетку, плюрипотентную клетку или индуцированную плюрипотентную клетку. Согласно конкретному варианту реализации указанная клетка представляет собой ЭС-клетку мыши.

[000103] Согласно одному из аспектов предложена В-клетка мыши, причем указанная мышиная В-клетка содержит реаранжированный ген тяжелой цепи иммуноглобулина, при этом в хромосоме указанной В-клетки присутствует последовательность нукleinовой кислоты, кодирующая белок ADAM6, либо его ортолог, гомолог или фрагмент, функциональный у мышей-самцов. Согласно одному из вариантов реализации указанная В-клетка мыши содержит два аллеля указанной последовательности нукleinовой кислоты.

[000104] Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность нукleinовой кислоты находится в молекуле нукleinовой кислоты (например, в хромосоме В-клетки), смежной с указанным локусом реаранжированной тяжелой цепи иммуноглобулина мыши.

[000105] Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность нукleinовой кислоты находится в молекуле нукleinовой кислоты (например, в В-клетка хромосома), отдельной от молекулы нукleinовой кислоты, которая содержит указанный локус реаранжированной тяжелой цепи иммуноглобулина мыши.

[000106] Согласно одному из вариантов реализации указанная В-клетка мыши

содержит реарранжированную последовательность вариабельных генов не происходящего от мыши иммуноглобулина, функционально связанную с геном константной области иммуноглобулина мыши или человека, при этом указанная В-клетка содержит последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую белок ADAM6, либо его ортолог, гомолог или фрагмент, функциональный у мышей-самцов.

[000107] Согласно одному из аспектов предложена соматическая клетка мыши, содержащая хромосому, которая содержит модифицированный локус тяжелой цепи иммуноглобулина и последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую ADAM6 мыши, либо его ортолог, гомолог или фрагмент, функциональный у мышей-самцов.

10 Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность нуклеиновой кислоты находится в той же хромосоме, что и указанный модифицированный локус тяжелой цепи иммуноглобулина. Согласно одному из вариантов реализации указанная нуклеиновая кислота находится не на той хромосоме, где находится модифицированный локус тяжелой цепи иммуноглобулина. Согласно одному из вариантов реализации 15 указанная соматическая клетка содержит одну копию указанной последовательности нуклеиновой кислоты. Согласно одному из вариантов реализации указанная соматическая клетка содержит по меньшей мере две копии указанной последовательности нуклеиновой кислоты. Согласно конкретному варианту реализации указанная соматическая клетка представляет собой В-клетку. Согласно конкретному 20 варианту реализации указанная клетка представляет собой половую клетку. Согласно конкретному варианту реализации указанная клетка представляет собой стволовую клетку.

[000108] Согласно одному из аспектов предложена половая клетка мыши, содержащая последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую ADAM6 мыши (или его 25 гомолог, ортолог или функциональный фрагмент), на хромосоме указанной половой клетки, при этом указанная последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующая ADAM6 мыши (или его гомолог, ортолог или функциональный фрагмент) находится в положении на указанной хромосоме, отличном от положения в хромосоме половой клетки мыши дикого типа. Согласно одному из вариантов реализации указанная 30 последовательность нуклеиновой кислоты находится в локусе иммуноглобулина мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность нуклеиновой кислоты находится на той же хромосоме половой клетки, что и локус иммуноглобулина мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность нуклеиновой кислоты находится не на той хромосоме половой клетки, где расположен 35 указанный локус иммуноглобулина мыши. Согласно одному из вариантов реализации в указанном локусе иммуноглобулина мыши по меньшей мере одна последовательность иммуноглобулина мыши заменена по меньшей мере одной последовательностью не происходящего от мыши иммуноглобулина. Согласно конкретному варианту реализации 40 указанная по меньшей мере одна последовательность не происходящего от мыши го иммуноглобулина представляет собой последовательность иммуноглобулина человека.

[000109] Согласно одному из аспектов предложена плюрипотентная, индуцированная плюрипотентная или totипотентная клетка, происходящая из мыши согласно настоящему описанию. Согласно конкретному варианту реализации указанная клетка представляет собой эмбриональную стволовую (ЭС) клетку мыши.

45 [000110] Согласно одному из аспектов предложена ткань, происходящая из мыши согласно настоящему описанию. Согласно одному из вариантов реализации указанную ткань получают из селезенки, лимфатического узла или костного мозга мыши согласно описанию в настоящей заявке.

[000111] Согласно одному из аспектов предложено ядро, происходящее из мыши согласно настоящему описанию. Согласно одному из вариантов реализации указанное ядро взят от диплоидной клетки, не являющейся В-клеткой.

[000112] Согласно одному из аспектов предложена последовательность нуклеотидов,

5 кодирующая вариабельную область иммуноглобулина, синтезируемую мышью согласно настоящему описанию.

[000113] Согласно одному из аспектов предложена аминокислотная последовательность вариабельной области тяжелой цепи иммуноглобулина или легкой цепи иммуноглобулина антитела, синтезируемого мышью согласно настоящему

10 описанию.

[000114] Согласно одному из аспектов предложена последовательность нуклеотидов вариабельной области тяжелой цепи иммуноглобулина или легкой цепи иммуноглобулина, кодирующая вариабельную область антитела, синтезируемого мышью согласно настоящему описанию.

15 [000115] Согласно одному из аспектов предложено антитело или его антигенсвязывающий фрагмент (например, Fab, F(ab)₂, scFv), синтезируемое(ый) мышью согласно настоящему описанию. Согласно одному из аспектов предложен способ получения генетически модифицированной мыши, включающий замену одного или более генных сегментов тяжелой цепи иммуноглобулина в 5'-направлении (в отношении

20 транскрипции указанных генных сегментов тяжелой цепи иммуноглобулина) от эндогенного локуса ADAM6 указанной мыши одним или более генными сегментами тяжелой цепи иммуноглобулина человека, и замену одного или более сегментов гена иммуноглобулина в 3'-направлении (в отношении транскрипции указанных генных сегментов тяжелой цепи иммуноглобулина) указанного локуса ADAM6 указанной

25 мыши одним или более генными сегментами тяжелой цепи или легкой цепи иммуноглобулина человека. Согласно одному из вариантов реализации указанный один или более сегментов гена иммуноглобулина человека, замещающие один или более сегментов эндогенного гена иммуноглобулина в 5'-направлении от эндогенного локуса ADAM6 указанной мыши, включают генные сегменты V. Согласно одному из

30 вариантов реализации указанные сегменты гена иммуноглобулина человека, замещающие один или более сегментов эндогенного гена иммуноглобулина в 5'-направлении от эндогенного локуса ADAM6 указанной мыши, включают генные сегменты V и D. Согласно одному из вариантов реализации указанный один или более сегментов гена иммуноглобулина человека, замещающие один или более сегментов

35 эндогенного гена иммуноглобулина в 3'-направлении от эндогенного локуса ADAM6 указанной мыши, включают генные сегменты J. Согласно одному из вариантов реализации указанные один или более сегментов гена иммуноглобулина человека, замещающие один или более сегментов эндогенного гена иммуноглобулина в 3'-направлении от эндогенного локуса ADAM6 указанной мыши, включают генные

40 сегменты D и J. Согласно одному из вариантов реализации указанные один или более сегментов гена иммуноглобулина человека, замещающие один или более сегментов эндогенного гена иммуноглобулина в 3'-направлении от эндогенного локуса ADAM6 указанной мыши, включают генные сегменты V, D и J.

45 [000116] Согласно одному из вариантов реализации указанный один или более генных сегментов тяжелой цепи иммуноглобулина, расположенные в 5'-направлении и/или в 3'-направлении от гена ADAM6, заменяют в плюрипотентной, индуцированной плюрипотентной илиtotипотентной клетке для формирования генетически модифицированной клетки-предшественника; указанную генетически

модифицированную клетку-предшественник вводят хозяину; указанный хозяин, содержащий генетически модифицированную клетку-предшественник, вынашивается с получением мыши, имеющей геном, полученный из указанной генетически модифицированной клетки-предшественника. Согласно одному из вариантов реализации 5 хозяин представляет собой эмбрион. Согласно конкретному варианту реализации указанный хозяин выбран из предморулы мыши (например, на стадии 8 или 4 клеток), тетраплоидного эмбриона, совокупности эмбриональных клеток или бластоциты.

[000117] Согласно одному из аспектов предложен способ получения генетически модифицированной мыши, включающий замену последовательности нуклеотидов 10 мыши, содержащей генный сегмент иммуноглобулина мыши и последовательность нуклеотидов ADAM6 мыши (или его ортолога, гомолога или фрагмента, функционального у мышей-самцов), на последовательность, содержащую сегмент гена иммуноглобулина человека, с образованием первого гибридного локуса, и последующее встраивание последовательности, содержащей последовательность, кодирующую 15 ADAM6 мыши (или последовательность, кодирующую его ортолог, гомолог или функциональный фрагмент) в указанную последовательность, содержащую сегмент гена иммуноглобулина человека, с образованием второго гибридного локуса.

[000118] Согласно одному из вариантов реализации указанный второй гибридный локус включает вариабельный генный сегмент тяжелой цепи (V_H) иммуноглобулина 20 человека. Согласно одному из вариантов реализации указанный второй гибридный локус включает вариабельный генный сегмент легкой цепи (V_L) иммуноглобулина человека. Согласно конкретному варианту реализации указанный второй гибридный локус включает генный сегмент V_H человека или генный сегмент V_L человека, 25 функционально связанный с генным сегментом D_H человека и генным сегментом человека J_H . Согласно еще одному конкретному варианту реализации указанный второй гибридный локус функционально связан с третьим гибридным локусом, который содержит последовательность C_H1 человека, или C_H1 человека и последовательность шарнира человека, слитые с последовательностью C_H2+C_H3 мыши.

[000119] Согласно одному из аспектов предложено применение мыши, у которой присутствует эктопическая последовательность нуклеотидов, содержащая локус или последовательность ADAM6 мыши для получения фертильного самца мыши, при этом указанное применение включает осуществление спаривания мыши, у которой 30 присутствует указанная эктопическая последовательность нуклеотидов, которая содержит локус или последовательность ADAM6 мыши, с мышью, у которой отсутствует функциональный эндогенный локус или последовательность ADAM6 мыши, и получение потомства, представляющего собой самку, способную производить потомство, у которого присутствует указанный(ая) эктопический локус или последовательность 35 ADAM6, либо представляющее собой самца, у которого присутствует указанный(ая) эктопический ADAM6 локус или последовательность, причем у указанного самца наблюдается фертильность, примерно соответствующая фертильности, наблюданной 40 у самцов мыши дикого типа.

[000120] Согласно одному из аспектов предложено применение мыши согласно 45 настоящему описанию для получения последовательности нуклеотидов вариабельной области иммуноглобулина.

[000121] Согласно одному из аспектов предложено применение мыши согласно настоящему описанию для получения полностью человеческого Fab или полностью

человеческого F(ab)₂.

[000122] Согласно одному из аспектов предложено применение мыши согласно настоящему описанию для получения иммортализированной линии клеток.

[000123] Согласно одному из аспектов предложено применение мыши согласно настоящему описанию для получения гибридомы или квадромы.

[000124] Согласно одному из аспектов предложено применение мыши согласно настоящему описанию для получения фаговой библиотеки, содержащей вариабельные области тяжелой цепи человека и вариабельные области легкой цепи человека.

[000125] Согласно одному из аспектов предложено применение мыши согласно настоящему описанию для получения последовательности вариабельной области для получения антитела человека, включающее (а) иммунизацию мыши согласно настоящему описанию представляющим интерес антигеном, (б) выделение лимфоцита из иммунизированной мыши по пункту (а), (с) осуществление контакта указанного лимфоцита с одному или более меченными антителами, (д) выявление лимфоцита, способного связываться с представляющим интерес антигеном, и (е) амплификация одной или более последовательностей нуклеиновой кислоты вариабельной области указанного лимфоцита с получением таким образом последовательности вариабельной области.

[000126] Согласно одному из вариантов реализации указанный лимфоцит получают из селезенки мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанный лимфоцит получают из лимфатического узла мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанный лимфоцит получают из костного мозга мыши.

[000127] Согласно одному из вариантов реализации указанное меченое антитело представляет собой конъюгированное с флуорофором антитело. Согласно одному из вариантов реализации указанные одно или более конъюгированные с флуорофором антитела выбраны из IgM, IgG и/или их комбинации.

[000128] Согласно одному из вариантов реализации указанный лимфоцит представляет собой В-клетку.

[000129] Согласно одному из вариантов реализации указанные одна или более последовательности вариабельной области нуклеиновой кислоты включают последовательность вариабельной области тяжелой цепи. Согласно одному из вариантов реализации указанные одна или более последовательности вариабельной области нуклеиновой кислоты включают последовательность вариабельной области легкой цепи. Согласно конкретному варианту реализации указанная последовательность вариабельной области легкой цепи представляет собой последовательность вариабельной области легкой цепи к (каппа) иммуноглобулина. Согласно одному из вариантов реализации указанные одна или более последовательности вариабельной области нуклеиновой кислоты содержат последовательности вариабельной области тяжелой цепи и легкой цепи к.

[000130] Согласно одному из вариантов реализации предложено применение мыши согласно настоящему описанию для получения последовательности вариабельной области тяжелой и к легкой цепи для получения антитела человека, включающее (а) иммунизацию мыши согласно настоящему описанию представляющим интерес антигеном, (б) извлечение селезенки из иммунизированной мыши по пункту (а), (с)

осуществление контакта В-лимфоцитов селезенки с одним или более мечеными антителами, (д) выявление В-лимфоцита по пункту (с), способного связываться с представляющим интерес антигеном, и (е) амплификация последовательности нуклеиновой кислоты вариабельной области тяжелой цепи и последовательности

нуклеиновой кислоты вариабельной области к легкой цепи из указанного В-лимфоцита с получением таким образом указанной последовательностей вариабельной области тяжелой цепи и к легкой цепи.

[000131] Согласно одному из вариантов реализации предложено применение мыши

- 5 согласно настоящему описанию для синтеза последовательности вариабельной области тяжелой и к легкой цепи для получения антитела человека, включающее (а) иммунизацию мыши согласно настоящему описанию представляющим интерес антигеном, (б) извлечение одного или более лимфатических узлов из иммунизированной мыши по пункту (а), (с) осуществление контакта В-лимфоцитов из указанных одного или более
- 10 лимфатических узлов с одним или более меченными антителами, (д) выявление В-лимфоцита по пункту (с), способного связываться с представляющим интерес антигеном, и (е) амплификация последовательности нуклеиновой кислоты вариабельной области тяжелой цепи и последовательности нуклеиновой кислоты вариабельной области к легкой цепи из указанного В-лимфоцита с получением таким образом указанных
- 15 последовательностей вариабельной области тяжелой цепи и к легкой цепи.

[000132] Согласно одному из вариантов реализации предложено применение мыши согласно настоящему описанию для получения последовательности вариабельной области тяжелой и к легкой цепи для получения антитела человека, включающее (а) иммунизацию мыши согласно настоящему описанию представляющим интерес

- 20 антигеном, (б) извлечение костного мозга из иммунизированной мыши по пункту (а), (с) осуществление контакта В-лимфоцитов костного мозга с одним или более меченными антителами, (д) выявление В-лимфоцита по пункту (с), способного связываться с представляющим интерес антигеном, и (е) амплификация последовательности нуклеиновой кислоты вариабельной области тяжелой цепи и последовательности
- 25 нуклеиновой кислоты вариабельной области к легкой цепи из указанного В-лимфоцита с получением таким образом указанных последовательностей вариабельной области тяжелой цепи и к легкой цепи. Согласно различным вариантам реализации указанные одно или более меченых антител выбраны из IgM, IgG и/или их комбинации.

[000133] Согласно различным вариантам реализации предложено применение мыши

- 30 согласно настоящему описанию для синтеза последовательности вариабельной области тяжелой и к легкой цепи для получения антитела человека, включающее также слияние амплифицированных последовательностей вариабельных областей тяжелой и легкой цепей с последовательностями константной области тяжелой и легкой цепей человека, экспрессирование слитых тяжелой и легкой цепи последовательности в клетке и
- 35 выделение экспрессированных последовательностей тяжелой и легкой цепей с получением таким образом антитела человека.

[000134] Согласно различным вариантам реализации константные области тяжелой цепи человека выбраны из IgM, IgD, IgA, IgE и IgG. Согласно различным конкретным вариантам реализации указанный IgG выбран из IgG1, IgG2, IgG3 и IgG4. Согласно

- 40 различным вариантам реализации указанная константная область тяжелой цепи человека включает С_H1, шарнир, С_H2, С_H3, С_H4 или их комбинации. Согласно различным вариантам реализации константная область легкой цепи представляет собой константную область к иммуноглобулина. Согласно различным вариантам реализации указанная клетка выбрана из клетки HeLa, клетки DU145, клетки LnCap, клетки MCF-7, клетки MDA-MB-438, клетки PC3, клетки T47D, клетки ТНР-1, клетки U87, клетки 45 SHSY5Y (нейробластомы человека), клетки Saos-2, клетки Vero, клетки CHO, клетки GH3, клетки PC12, клетки сетчатки человека (например, клетки PER.C6™) и клетки MC3T3. Согласно конкретному варианту реализации указанная клетка представляет

собой клетку СНО.

[000135] Согласно одному из аспектов предложен способ получения обратно-гибридных антител грызуна/человека, специфичных к представляющему интерес антигену, включающий этапы иммунизации мыши согласно приведенному в настоящей 5 заявке описанию указанным антигеном, выделение по меньшей мере одной клетки из мыши, продуцирующей обратно-гибридное антитело мыши/человека, специфичное к указанному антигену, культивирование по меньшей мере одной клетки, синтезирующей указанное обратно-гибридное антитело мыши/человека, специфичное к указанному антигену, и получение указанного антитела.

10 [000136] Согласно одному из вариантов реализации указанное обратно-гибридное антитело мыши/человека содержит вариабельный домен тяжелой цепи человека, слитый с константным геном тяжелой цепи мыши или крысы, и вариабельный домен легкой цепи человека, слитый с константным геном легкой цепи мыши или крысы или человека.

15 [000137] Согласно одному из вариантов реализации культивирование по меньшей мере одной клетки, синтезирующей указанное обратно-гибридное антитело грызуна/человека, специфичное к указанному антигену, осуществляют на по меньшей мере одной гибридомной клетке, полученной из указанной по меньшей мере одной выделенной из мыши клетки.

20 [000138] Согласно одному из аспектов предложен способ получения полностью человеческого антитела, специфичного к представляющему интерес антигену, включающий этапы иммунизации мыши согласно приведенному в настоящей заявке описанию указанным антигеном, выделение по меньшей мере одной клетки из мыши, продуцирующей обратно-гибридное антитело грызуна/человека, специфичное к указанному антигену, получение по меньшей мере одной клетки, продуцирующей 25 полностью человеческое антитело, происходящее из указанного обратно-гибридного антитела грызуна/человека, специфичного к указанному антигену, культивирование по меньшей мере одной клетки, синтезирующей указанное полностью человеческое антитело, и получение указанного полностью человеческого антитела.

30 [000139] Согласно различным вариантам реализации указанная по меньшей мере одна клетка, выделенная из мыши, продуцирующей обратно-гибридное антитело грызуна/человека, специфичное к указанному антигену, представляет собой спленоцит или В-клетку.

[000140] Согласно различным вариантам реализации указанное антитело представляет собой моноклональное антитело.

35 [000141] Согласно различным вариантам реализации иммунизацию представляющим интерес антителом проводят белком, ДНК, комбинацией ДНК и белка или клетками, экспрессирующими указанный антиген.

40 [000142] Согласно одному из аспектов предложено применение мыши согласно настоящему описанию для получения последовательности нуклеиновой кислоты, кодирующей вариабельную область иммуноглобулина, или ее фрагмент. Согласно одному из вариантов реализации указанную последовательность нуклеиновой кислоты применяют для получения антитела человека или его антигенсвязывающего фрагмента. Согласно одному из вариантов реализации указанную мышь применяют для получения антигенсвязывающего белка, выбранного из антитела, мультиспецифичного антитела 45 (например, биспецифического антитела), scFv, биспецифического scFv, диатела, триотела, тетратела, V-NAR, VHH, V_L, F(ab), F(ab)₂, DVD (т.е. антигенсвязывающий белок с двойным вариабельным доменом), SVD (т.е. антигенсвязывающий белок с одним вариабельным доменом) или биспецифического активатора Т-клеток (BiTE).

[000143] Согласно одному из аспектов предложено применение мыши согласно настоящему описанию для введения эктопической последовательности ADAM6 мыши, у которой отсутствует функциональная эндогенная последовательность ADAM6 мыши, при этом указанное применение включает спаривание мыши согласно настоящему описанию с мышью, у которой отсутствует указанная функциональная эндогенная последовательность ADAM6 мыши.

[000144] Согласно одному из аспектов предложено применение генетического материала мыши согласно настоящему описанию для получения мыши, у которой присутствует эктопическая последовательность ADAM6. Согласно одному из вариантов реализации указанное применение включает ядерную передачу с применением ядра клетки мыши согласно описанию в настоящей заявке. Согласно одному из вариантов реализации указанное применение включает клонирование клетки мыши согласно настоящему описанию для получения животного, происходящего из указанной клетки. Согласно одному из вариантов реализации указанное применение включает применение спермы или яйцеклетки мыши согласно настоящему описанию в способе получения мыши, у которой присутствует указанная эктопическая последовательность ADAM6.

[000145] Согласно одному из аспектов предложен способ получения фертильного самца мыши, у которого присутствует модифицированный локус тяжелой цепи иммуноглобулина, включающий оплодотворение первой половой клетки мыши, содержащей модификацию эндогенного локуса тяжелой цепи иммуноглобулина, второй половой клеткой мыши, содержащей ген ADAM6, либо его ортолог, гомолог или фрагмент, функциональный у мышей-самцов; образование оплодотворенной клетки; обеспечение развития указанной оплодотворенной клетки в эмбрион; и суррогатное вынашивание указанного эмбриона для получения мыши.

[000146] Согласно одному из вариантов реализации оплодотворение достигается посредством спаривания самца мыши с самкой мыши. Согласно одному из вариантов реализации у самки мыши присутствует ген ADAM6, либо его ортолог, гомолог или фрагмент. Согласно одному из вариантов реализации у самца мыши присутствует ген ADAM6, либо его ортолог, гомолог или фрагмент.

[000147] Согласно одному из аспектов предложено применение последовательности нуклеиновой кислоты, кодирующей белок ADAM6 мыши, либо его ортолог или гомолог, либо функциональный фрагмент соответствующего белка ADAM6 для восстановления или повышения фертильности мыши, геном которой содержит модификацию локуса тяжелой цепи иммуноглобулина, причем указанная модификация уменьшает или удаляет функцию эндогенного ADAM6.

[000148] Согласно одному из вариантов реализации указанную последовательность нуклеиновой кислоты внедряют в геном указанной мыши в эктопическом положении. Согласно одному из вариантов реализации указанную последовательность нуклеиновой кислоты внедряют в геном указанной мыши в эндогенный локус иммуноглобулина.

[000149] Согласно конкретному варианту реализации указанный эндогенный локус иммуноглобулина представляет собой локус тяжелой цепи. Согласно одному из вариантов реализации указанную последовательность нуклеиновой кислоты внедряют в геном указанной мыши в положении, отличном от положения эндогенного локуса иммуноглобулина.

[000149] Согласно одному из аспектов предложено применение мыши согласно настоящему описанию для получения медикамента (например, антигенсвязывающего белка) или для получения последовательности, кодирующей вариабельную последовательность медикамента (например, антигенсвязывающего белка) для лечения

заболевания или расстройства человека.

КРАТКОЕ ОПИСАНИЕ ЧЕРТЕЖЕЙ

[000150] На Фиг.1А представлена общая иллюстрация, без соблюдения масштаба, прямой геномной замены приблизительно трех мегабаз (Мб) локуса вариабельных 5 генов тяжелой цепи иммуноглобулина мыши (закрашенные символы) приблизительно одной мегабазой (Мб) локуса вариабельных генов тяжелой цепи иммуноглобулина человека (незакрашенные символы).

[000151] На Фиг.1В представлена общая иллюстрация, без соблюдения масштаба, прямой геномной замены приблизительно трех мегабаз (Мб) локуса вариабельных 10 генов к легкой цепи мышиного иммуноглобулина (закрашенные символы) приблизительно 0,5 мегабазы (Мб) первого, или проксимального, из двух почти идентичных повторов локуса вариабельных генов к легкой цепи иммуноглобулина человека (незакрашенные символы).

[000152] На Фиг.2А представлена подробная иллюстрация, без соблюдения масштаба, 15 трех первых этапов (A-C) прямой геномной замены локуса вариабельных генов тяжелой цепи иммуноглобулина мыши, которая приводит к удалению всех генных сегментов V_H , D_H и J_H мыши и замене на три генные сегмента V_H человека, все генные сегменты D_H и J_H человека. Показан направленный вектор для первой вставки генных сегментов 20 тяжелой цепи иммуноглобулина человека ($3hV_H$ ВАСвес) с 67 т.н. 5'-плечом гомологии мыши, селективной кассетой (незакрашенный прямоугольник), участком сайт-специфической рекомбинации (незакрашенный треугольник), геномным фрагментом человека размером 145 т.н. и 3'-плечом гомологии мыши размером 8 т.н. Показаны сегменты гена иммуноглобулина человека (незакрашенные символы) и мыши (закрашенные символы), дополнительные селективные кассеты (незакрашенные 25 прямоугольники) и участки сайт-специфической рекомбинации (незакрашенные треугольники), встраиваемые из последующих направленных векторов.

[000153] На Фиг.2В представлена подробная иллюстрация, без соблюдения масштаба, шести дополнительных этапов (D-I) прямой геномной замены локуса вариабельных 30 генов тяжелой цепи иммуноглобулина мыши, которая приводит к вставке 77 дополнительных генных сегментов V_H человека и удалению полученной селективной кассеты. Направленный вектор для встраивания дополнительных генных сегментов V_H человека ($18hV_H$ ВАСвес) в первую вставку генных сегментов тяжелой цепи человека (3 hV_H -CRE гибридный аллель) показан с 20 т.н. 5' мышиным плечом гомологии, 35 селективной кассетой (незакрашенный прямоугольник), 196 т.н. геномным фрагментом человека и 62 т.н. плечом гомологии человека, перекрывающимся с 5'-концом первой вставки генных сегментов тяжелой цепи человека, показанной с участком сайт-специфической рекомбинации (незакрашенный треугольник), расположенной в 5' 40 направлении от генных сегментов человека. Показаны сегменты гена иммуноглобулина человека (незакрашенные символы) и мыши (закрашенные символы) и дополнительные селективные кассеты (незакрашенные прямоугольники), встраиваемые с помощью последующих направленных векторов.

[000154] На Фиг.2С представлена подробная иллюстрация, без соблюдения масштаба, 45 трех первых этапов (A-C) прямой геномной замены локуса вариабельных генов к легкой цепи мышиного иммуноглобулина, приводящей к удалению всех генных сегментов V_K и J_K мыши (Igκ-сг гибридный аллель). Показаны селективные кассеты (незакрашенные прямоугольники) и участки сайт-специфической рекомбинации (незакрашенные треугольники), встраиваемые из направленных векторов.

[000155] На Фиг.2D представлена подробная иллюстрация, без соблюдения масштаба, пяти дополнительных этапов (D-H) прямой геномной замены локуса вариабельных генов к легкой цепи иммуноглобулина мыши, приводящей к вставке всех генных сегментов V_k и J_k человека проксимального повтора и удалению полученной

5 селективной кассеты (40hVkdHyg гибридный аллель). Показаны сегменты гена иммуноглобулина человека (незакрашенные символы) и мыши (закрашенные символы) и дополнительные селективные кассеты (незакрашенные прямоугольники), встраиваемые с помощью последующих направленных векторов.

[000156] На Фиг.3А представлена общая иллюстрация, без соблюдения масштаба, 10 стратегии скрининга, включая локализацию наборов праймеров/зондов для количественной ПЦР (кПЦР) для детектирования вставки генной последовательности тяжелой цепи человека и удаления генной последовательности тяжелой цепи мыши в эмбриональных стволовых (ЭС) клетках-мишениях. Стратегия отслеживания первой вставки гена тяжелой цепи человека в ЭС-клеток и у мышей показана в виде наборов 15 праймеров/зондов для кПЦР для удаляемой области (зонды «удаления» С и D), встраиваемой области («hIgH» зонды G и H) и фланкирующих областей (зонды «сохранения» A, B, E и F) на немодифицированной хромосоме мыши (сверху) и корректно таргетированной хромосоме (снизу).

[000157] На Фиг.3В приведен типовой расчет регистрируемого числа копий зонда в 20 родительских и модифицированных ЭС-клетках для первой вставки генных сегментов тяжелой цепи иммуноглобулина человека. Число регистрируемых копий зондов A-F рассчитывали ка 2/2ΔΔCt. ΔΔCt рассчитывают как ave[ΔCt(проба) - medΔCt(контроль)], где ΔCt представляет собой разность Ct для экспериментальных и эталонных зондов (от 4 до 6 эталонных зондов, в зависимости от анализа). Термин medΔCt(контроль) 25 означает медиану ΔCt для множества (>60) нетаргетированных образцов ДНК из родительских ЭС-клеток. Каждый клон модифицированной ЭС-клетки анализировали в шести повторностях. Для подсчета числа копий IgH-зондов G и H в родительских ЭС-клетках число копий указанных зондов принимали за равное 1 в модифицированных ЭС-клетках, и использовали максимальное Ct=35, даже если амплификация не 30 наблюдалась.

[000158] На Фиг.3С приведен типовой расчет числа копий для четырех мышей каждого генотипа, рассчитанного с применением только зондов D и H. Мыши дикого типа: «мыши WT»; Мыши, гетерозиготные по первой вставке сегментов гена иммуноглобулина человека: «мыши НЕТ»; Мыши, гомозиготные по первой вставке 35 сегментов гена иммуноглобулина человека: «мыши Ното».

[000159] На Фиг.4А представлена подробная иллюстрация, без соблюдения масштаба, трех этапов конструирования 3hV_H ВАСвес с применением бактериальной гомологичной рекомбинации (BHR). Показаны сегменты гена иммуноглобулина человека (незакрашенные символы) и мыши (закрашенные символы), селективные кассеты 40 (незакрашенные прямоугольники) и участки сайт-специфической рекомбинации (незакрашенные треугольники), встроенные из направленных векторов.

[000160] На Фиг.4В показан гель-электрофорез в пульсирующем поле (PFGE) трех 45 клонов ВАС (B1, B2 и B3) после расщепления NotI. Маркеры M1, M2 и M3 представляют собой лэддерные PFG-маркеры короткого диапазона, среднего диапазона и фага лямбда, соответственно (New England BioLabs, Илсвич, Массачусетс).

[000161] На Фиг.5А представлено схематическое изображение, без соблюдения масштаба, последовательных модификаций локуса тяжелой цепи иммуноглобулина мыши увеличивающимся числом генных сегментов тяжелой цепи иммуноглобулина

человека. Гомозиготных мышей получали на каждом из трех разных этапов гуманизации тяжелой цепи. Незакрашенные символы обозначают последовательность человека; закрашенные символы обозначают последовательность мыши.

[000162] На Фиг.5В представлено схематическое изображение, без соблюдения

5 масштаба, последовательных модификаций локуса к легкой цепи иммуноглобулина мыши увеличивающимся числом генных сегментов к легкой цепи иммуноглобулина человека. Гомозиготных мышей получали на каждом из трех разных этапов гуманизации к легкой цепи. Незакрашенные символы обозначают последовательность человека; закрашенные символы обозначают последовательность мыши.

10 [000163] На Фиг.6 приведены полученные на клеточном сортере с активацией флуоресценции (FACS) точечные диаграммы популяций В-клеток у гуманизированных мышей дикого типа и мышей VELOCIMMUNE®. Клетки селезенки (верхний ряд, третий ряд сверху и нижний ряд) или ингвинальных лимфатических узлов (второй ряд сверху) мышей дикого типа (wt), VELOCIMMUNE® 1 (V1), VELOCIMMUNE® 2 (V2) или 15 VELOCIMMUNE® 3 (V3) окрашивали на экспрессированный на поверхности В-клеток IgM (верхний ряд и второй ряд сверху), поверхностный иммуноглобулин, содержащий либо κ, либо λ, легкие цепи (третий ряд сверху) или поверхностный IgM конкретных гаплотипов (нижний ряд), и популяции разделяли с помощью FACS.

19 [000164] На Фиг.7А приведены типовые CDR3-последовательности тяжелой цепи 20 случайно отобранных антител VELOCIMMUNE® вокруг V_H-D_H-J_H (CDR3) сочленения, демонстрирующие множественность J-сегментов и добавочные нуклеотиды.

Последовательности тяжелой цепи CDR3 сгруппированы в соответствии с частотой 25 использования генных сегментов D_H, последовательность которого в зародышевой линии приведена над каждой группой и выделена жирным шрифтом. Генные сегменты V_H для каждой последовательности тяжелой цепи CDR3 указаны в скобках на 5'-конце каждой последовательности (например, 3-72 представляет собой человека V_H3-72). Генные сегменты J_H для каждой тяжелой цепи CDR3 указаны в скобках на 3'-конце 30 каждой последовательности (например, 3 представляет собой J_H3 человека). Номера (SEQ ID NO) каждой приведенной последовательности следующие, сверху вниз: SEQ ID NO:21; SEQ ID NO:22; SEQ ID NO:23; SEQ ID NO:24; SEQ ID NO:25; SEQ ID NO:26; SEQ ID NO:27; SEQ ID NO:28; SEQ ID NO:29; SEQ ID NO:30; SEQ ID NO:31; SEQ ID NO: 32; SEQ ID NO:33; SEQ ID NO:34; SEQ ID NO:35; SEQ ID NO:36; SEQ ID NO:37; SEQ ID NO:38; SEQ ID NO:39.

35 [000165] На Фиг.7В приведены типовые последовательности легкой цепи CDR3 случайным образом отобранных антител VELOCIMMUNE® вокруг V_k-J_k (CDR3) сочленения, демонстрирующие множественность J-сегментов и добавочные нуклеотиды. Генные сегменты V_k для каждой последовательности легкой цепи CDR3 указаны в скобках на 5'-конце каждой последовательности (например, 1-6 представляет собой 40 V_k1-6 человека). Генные сегменты J_k для каждой легкой цепи CDR3 указаны в скобках на 3'-конце каждой последовательности (например, 1 представляет собой человека J_k1). Номера (SEQ ID NO) каждой показанной последовательности следующие, сверху вниз: SEQ ID NO:40; SEQ ID NO:41; SEQ ID NO:42; SEQ ID NO:43; SEQ ID NO:44; SEQ ID NO: 45; SEQ ID NO:46; SEQ ID NO:47; SEQ ID NO:48; SEQ ID NO:49; SEQ ID NO:50; SEQ ID NO:51; SEQ ID NO:52; SEQ ID NO:53; SEQ ID NO:54; SEQ ID NO:55; SEQ ID NO:56; SEQ 45 ID NO:57; SEQ ID NO:58.

[000166] На Фиг.8 приведены частоты соматических сверхмутаций для тяжелой и легкой цепей антител VELOCIMMUNE®, выраженные (после выравнивания с

соответствующими последовательностями зародышевой линии) как процент последовательностей, модифицированных по каждому из положений нуклеотида (NT; левый столбец) или аминокислоты (AA; правый столбец) в наборах из 38 (неиммунизированные IgM), 28 (неиммунизированные IgG), 32 (неиммунизированные Ig_C из IgG), 36 (иммунизированные IgG) или 36 (иммунизированные Ig_C из IgG) последовательностей. Заштрихованными столбцами обозначено расположение последовательностей CDR.

[000167] На Фиг.9А показаны уровни сывороточного иммуноглобулина для изотипов IgM и IgG у мышей дикого типа (незакрашенные столбцы) или мышей VELOCIMMUNE® (закрашенные столбцы).

[000168] На Фиг.9В показаны уровни сывороточного иммуноглобулина для IgA-изотипа у мышей дикого типа (незакрашенные столбцы) или мышей VELOCIMMUNE® (закрашенные столбцы).

[000169] На Фиг.9С показаны уровни сывороточного иммуноглобулина для IgE изотипа у мышей дикого типа (незакрашенные столбцы) или мышей VELOCIMMUNE® (закрашенные столбцы).

[000170] На Фиг.10А приведены титры антиген-специфичного IgG против рецептора интерлейкина-6 (IL-6R) в сыворотке семи мышей VELOCIMMUNE® (VI) и пяти мышей дикого типа (WT) мыши после двух (проба крови 1) или трех (проба крови 2) циклов иммунизации эктодоменом IL-6R.

[000171] На Фиг.10В приведены титры анти-IL-6R-специфичного изотипа IgG для семи мышей VELOCIMMUNE® (VI) и пяти мышей дикого типа (WT).

[000172] На Фиг.11А показано распределение по аффинности моноклональных антител против рецептора интерлейкина-6, синтезируемых мышами VELOCIMMUNE®.

[000173] На Фиг.11В показано антиген-специфическое связывание моноклональных антител против рецептора интерлейкина-6, синтезируемых мышами VELOCIMMUNE® (VI) и мышами дикого типа (WT).

[000174] На Фиг.12 представлено схематическое изображение, без соблюдения масштаба, генов ADAM_{6α} и ADAM_{6β} мыши в локусе тяжелой цепи иммуноглобулина мыши. Показан направленный вектор (направленный вектор mADAM6), применяемый для вставки ADAM_{6α} и ADAM_{6β} мыши в локус гуманизированной эндогенной тяжелой цепи с селективной кассетой (HYG: гигромицин), фланкированной участками сайт-специфической рекомбинации (Frt), включая сконструированные сайты рестрикции на 5' и 3'-концах.

[000175] На Фиг.13 представлено схематическое изображение, без соблюдения масштаба, псевдогена ADAM6 человека (hADAM6Ψ), расположенного между вариабельными генными сегментами 1-2 (V_H1-2) и 6-1 (V_H6-1) тяжелой цепи человека. Показан направленный вектор для бактериальной гомологичной рекомбинации (hADAM6Ψ-направленный вектор) для удаления псевдогена ADAM6 человека и встраивания уникальных сайтов рестрикции в локус тяжелой цепи человека с селективной кассетой (NEO: неомицин), фланкированной участками сайт-специфической рекомбинации (loxP), включая сконструированные сайты рестрикции на 5'- и 3'-концах. Приведена иллюстрация, без соблюдения масштаба, полученного таргетированного локуса гуманизированной тяжелой цепи, содержащего геномный фрагмент, кодирующий гены ADAM_{6α} и ADAM_{6β} мыши, включая селективную кассету, фланкированную участками сайт-специфической рекомбинации.

[000176] На Фиг.14А приведены полученные с применением FACS контурные гистограммы лимфоцитов, гейтированных по одиночным параметрам, для экспрессии

на поверхности IgM и B220 в костном мозге мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека ($H^{+/+} \kappa^{+/+}$), и мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека, у которых присутствует эктопический фрагмент генома мыши, кодирующий гены ADAM6 мыши ($H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$). Процент незрелых ($B220^{int} IgM^+$) и зрелых ($B220^{high} IgM^+$) B-клеток указан на каждой контурной гистограмме.

[000177] На Фиг.14В приведено общее число незрелых ($B220^{int} IgM^+$) и зрелых ($B220^{high} IgM^+$) B-клеток в костном мозге, выделенном из бедренных костей мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека ($H^{+/+} \kappa^{+/+}$), и мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека, у которых присутствует эктопический фрагмент генома мыши, кодирующий гены ADAM6 мыши ($H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$).

[000178] На Фиг.15А приведены полученные с применением FACS для гейтированных по $CD19^+$ B-клеток контурные гистограммы поверхностной экспрессии c-kit и CD43 в костном мозге мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека ($H^{+/+} \kappa^{+/+}$), и мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека, у которых присутствует эктопический фрагмент генома мыши, кодирующий гены ADAM6 мыши ($H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$). Процент про-B ($CD19^+ CD43^+ ckit^+$) и пре-B ($CD19^+ CD43^- ckit^-$) клеток указан в верхнем правом и нижнем левом квадранте, соответственно, каждой контурной гистограммы.

[000179] На Фиг.15В приведено общее число про-B-клеток ($CD19^+ CD43^+ ckit^+$) и пре-B-клеток ($CD19^+ CD43^- ckit^-$) в костном мозге, выделенном из бедренных костей мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека ($H^{+/+} \kappa^{+/+}$), и мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека, у которых присутствует эктопический фрагмент генома мыши, кодирующий гены ADAM6 мыши ($H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$).

[000180] На Фиг.16А приведены полученные с применением FACS для гейтированных по одиночному ограничению лимфоцитов контурные гистограммы экспрессии на поверхности CD19 и CD43 в костном мозге мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека ($H^{+/+} \kappa^{+/+}$), и мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека, у которых присутствует эктопический фрагмент генома мыши, кодирующий гены ADAM6 мыши ($H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$). Процент незрелых B-($CD19^+ CD43^-$), пре-B-($CD19^+ CD43^{int}$) и про-B-($CD19^+ CD43^+$) клеток указан на каждой контурной гистограмме.

[000181] На Фиг.16В приведены гистограммы для незрелых B ($CD19^+ CD43^-$) и пре-B ($CD19^+ CD43^{int}$) клеток в костном мозге мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека ($H^{+/+} \kappa^{+/+}$), и мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека, у которых присутствует эктопический фрагмент генома мыши, кодирующий гены ADAM6 мыши ($H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$).

[000182] На Фиг.17А приведены полученные с применением FACS для гейтированных по одиночному ограничению лимфоцитов контурные гистограммы экспрессии CD19

и CD3 на поверхности спленоцитов у мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека ($H^{+/+} \kappa^{+/+}$), и мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека, у которых присутствует

⁵ эктопический фрагмент генома мыши, кодирующий гены ADAM6 мыши ($H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$).

Процент B-(CD19⁺CD3⁻) и T-(CD19⁻CD3⁺) клеток указан на каждой контурной гистограмме.

[000183] На Фиг.17В приведены полученные с применением FACS для гейтированных по CD19⁺ В-клеток контурные гистограммы поверхности экспрессии Igλ и Igκ легкой цепи в селезенке мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека ($H^{+/+} \kappa^{+/+}$), и мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека, у которых присутствует эктопический фрагмент генома мыши, кодирующий гены ADAM6 мыши ($H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$). Процент Igλ⁺ (верхний левый квадрант) и Igκ (нижний правый квадрант) В-клеток указан на каждой контурной гистограмме.

[000184] На Фиг.17С приведено общее число CD19⁺ В-клеток в селезенке мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека ($H^{+/+} \kappa^{+/+}$), и мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека, у которых присутствует эктопический фрагмент генома мыши, кодирующий гены ADAM6 мыши ($H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$).

[000185] На Фиг.18А приведены полученные с применением FACS для гейтированных по CD19⁺ В-клеток контурные гистограммы экспрессии на поверхности IgD и IgM в селезенке мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека ($H^{+/+} \kappa^{+/+}$), и мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека, у которых присутствует эктопический фрагмент генома мыши, кодирующий гены ADAM6 мыши ($H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$). Процент зрелых В клеток (CD19⁺IgD^{high}IgM^{int}) указан для каждой контурной гистограммы. Стрелка на правой контурной гистограмме иллюстрирует процесс созревания В-клеток в отношении экспрессии на поверхности IgM и IgD.

[000186] На Фиг.18В приведено общее число В-клеток в селезенке мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека ($H^{+/+} \kappa^{+/+}$), и мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека, у которых присутствует эктопический фрагмент генома мыши, кодирующий гены ADAM6 мыши ($H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$) во время созревания CD19⁺IgM^{high}IgD^{int} до CD19⁺IgM^{int}IgD^{high}.

[000187] На Фиг.19 приведен титр антител в первой и второй пробах крови мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека ($H^{+/+} \kappa^{+/+}$; n=5), и мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека, у которых присутствует эктопический фрагмент генома мыши, кодирующий гены ADAM6 мыши ($H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$; n=5), иммунизированных рецептором клеточной поверхности человека (Антител А).

[000188] На Фиг.20 приведен титр антител в первой и второй пробах крови мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека

(H^{+/+}κ^{+/+}; n=5), и мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека, у которых присутствует эктопический фрагмент генома мыши, кодирующий гены ADAM6 мыши (H^{+/+}A6^{res}κ^{+/+}; n=10), иммунизированных антителом человека, специфичным к рецепторной тирозиновой протеинкиназе человека (Антитело В).

[000189] На Фиг.21 приведен титр антител в первой и второй пробах крови мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека (H^{+/+}κ^{+/+}; n=12), и мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека, у которых присутствует эктопический фрагмент генома мыши, кодирующий гены ADAM6 мыши (H^{+/+}A6^{res}κ^{+/+}; n=12), иммунизированных секреируемым белком человека, участвующим в регуляции TGF-β сигнального пути (Антитело С).

[000190] На Фиг.22 приведен титр антител в первой и второй пробах крови мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека, у которых присутствует эктопический фрагмент генома мыши, кодирующий гены ADAM6 мыши (H^{+/+}A6^{res}κ^{+/+}; n=12), иммунизированных рецепторной тирозинкиназой человека (Антитело D).

ПОДРОБНОЕ ОПИСАНИЕ ИЗОБРЕТЕНИЯ

[000191] Настоящее изобретение не ограничивается описанными конкретными способами и экспериментальными условиями, так как такие способы и условия могут варьировать. Кроме того, следует понимать, что используемая в настоящей заявке терминология предназначена исключительно для описания конкретных вариантов реализации, и не предназначена для ограничения, так как объем настоящего изобретения определен формулой изобретения.

[000192] Если не указано иное, значения всех используемых в настоящей заявке терминов и выражений включают значения, которые указанные термины и выражения имеют в данной области техники, кроме случаев, когда иное прямо указано или прямо следует из контекста, в котором использован(о) термин или выражение. Несмотря на то, что любые способы и материалы, сходные или эквивалентные описанным в настоящей заявке, могут применяться для практического применения или тестирования настоящего изобретения, ниже будут описаны конкретные способы и материалы. Все упоминаемые публикации включены в настоящую заявку посредством ссылки.

[000193] Выражение «по существу» или «практически» при использовании в отношении количества генных сегментов (например, «практически все» В генные сегменты) включает как функциональные, так и нефункциональные генные сегменты и включает, согласно различным вариантам реализации, например, 80% или более, 85% или более, 90% или более, 95% или более 96% или более, 97% или более, 98% или более, или 99% или более всех генных сегментов; согласно различным вариантам реализации термин «практически все» генные сегменты включает, например, по меньшей мере 95%, 96%, 97%, 98%, или 99% функциональных (т.е. не являющихся псевдогенами) генных сегментов.

[000194] Термин «замена» включает введение последовательности ДНК в геном клетки таким образом, что последовательность в составе генома замещается гетерологичной последовательностью (например, последовательностью человека у мыши), в указанном локусе геномной последовательности. Размещенная таким образом последовательность ДНК может включать одну или более регуляторную последовательность, являющуюся частью исходной ДНК, использованной для получения

размещенной таким образом последовательности (например, промоторы, энхансеры, 5'-или 3'-нетранслируемые области, подходящие сигнальные последовательности рекомбинации и т.п.). Например, согласно различным вариантам реализации замена

представляет собой замену эндогенной последовательности на гетерологичную последовательность, что приводит к синтезу генного продукта из размещенной таким образом последовательности ДНК (включая гетерологичную последовательность), но не к экспрессии эндогенной последовательности; замена представляет собой замену эндогенной геномной последовательности последовательностью ДНК, кодирующей белок, имеющий сходную функцию с белком, кодируемым указанной эндогенной

геномной последовательностью (например, указанная эндогенная геномная последовательность кодирует ген или домен иммуноглобулина, а указанный фрагмент ДНК кодирует один или более ген или домен иммуноглобулина человека). Согласно различным вариантам реализации эндогенный ген или его фрагмент заменяют соответствующим геном человека или его фрагментом. Соответствующий ген человека или его фрагмент представляет собой ген или фрагмент гена человека, ортологичный, гомологичный или практически идентичный или такой же по структуре и/или функции, что и замещенный эндогенный ген или его фрагмент.

[000195] Мышь как генетическая модель была значительно усовершенствована с помощью трансгенных и нокаутных методик, позволивших изучать эффекты

направленной сверхэкспрессии или удаления конкретных генов. Несмотря на все преимущества, применение мышей по-прежнему связано с генетическими сложностями, которые делают их несовершенной моделью для исследования заболеваний человека и несовершенной платформой для тестирования терапевтических средств для человека или их получения. Во-первых, несмотря на то, что приблизительно 99% генов человека имеют мышиные гомологи (Waterston et al. 2002, Initial sequencing and comparative analysis of the mouse genome, Nature 420:520-562), потенциальные терапевтические средства часто оказываются неспособны к перекрестным реакциям с мышиными ортологами предполагаемых мишений человека, либо перекрестно реагируют неадекватным образом. Чтобы обойти эту проблему, выбранный целевой ген может быть «гуманизирован»,

то есть мышний ген может быть устранен и замещен соответствующей ортологичной генной последовательностью человека (например, US 6586251, US 6596541 и US 7105348, включенные в настоящую заявку посредством ссылки). Сначала попытки гуманизации мышных генов посредством стратегии «нокаут-плюс-трансгенная гуманизация» включали скрещивание мыши, у которой удален (т.е. нокаутирован) эндогенный ген,

с мышью, несущей случайным образом встроенный трансген человека (см., например, Bril et al., 2006, Tolerance to factor VIII in a transgenic mouse expressing human factor VIII cDNA carrying an Arg(593) to Cys substitution, Thromb Haemost 95:341-347; Homanics et al., 2006, Production and characterization of murine models of classic and intermediate maple syrup urine disease, BMC Med Genet 7:33; Jamsai et al., 2006, A humanized BAC transgenic/knockout

mouse model for HbE/beta-thalassemia, Genomics 88(3):309-15; Pan et al., 2006, Different role for mouse and human CD3delta/epsilon heterodimer in preT cell receptor (preTCR) function: human CD3delta/epsilon heterodimer restores the defective preTCR function in CD3gamma- and CD3gammadelta-deficient mice, Mol Immunol 43:1741-1750). Но эти попытки были затруднены по причине ограничений размеров; стандартные методики нокаутирования

не позволяли непосредственно заменять большие гены мыши их большими геномными эквивалентами человека. Простой подход с прямым гомологичным замещением, при котором эндогенный мышний ген непосредственно заменяют эквивалентным геном человека в том же точно определенном положении в гене мыши (т.е. в эндогенном

мышином локусе), редко пытались применять ввиду технических трудностей. До настоящего момента попытки прямой замены включали сложные и обременительные процедуры, которые, соответственно, ограничивали протяженность генетического материала, доступного для обработки, и точность, с которой им можно было

5 манипулировать.

[000196] Экзогенно встраиваемые трансгены иммуноглобулина человека реаранжируются в В-клетках-предшественниках у мышей (Alt et al., 1985, Immunoglobulin genes in transgenic mice, Trends Genet 1:231-236). Это открытие было использовано для конструирования мышей с применением подхода "нокаут плюс трансген" для

10 экспрессирования антител человека (Green et al., 1994, Antigen-specific human monoclonal antibodies from mice engineered with human Ig heavy and light chain YACs, Nat Genet 7:13-21; Lonberg et al., 1994, Antigen-specific human antibodies from mice comprising four distinct genetic modifications, Nature 368:856-859; Jakobovits et al., 2007, From XenoMouse technology to panitumumab, the first fully human antibody product from transgenic mice, Nat Biotechnol 25:

15 Локусы тяжелой цепи и к легкой цепи иммуноглобулина мыши инактивировали у указанных мышей направленным удалением небольших, но важных фрагментов каждого эндогенного локуса, а затем вводили генные локусы иммуноглобулина человека в виде случайным образом встроенных больших трансгенов, согласно приведенному выше описанию, или минихромосомы (Tomizuka et al., 2000,

20 Double trans-chromosomal mice: maintenance of two individual human chromosome fragments containing Ig heavy and kappa loci and expression of fully human antibodies, PNAS USA 97: 722-727). Такие мыши представляли собой важный шаг вперед в области генной инженерии; полученные от них полностью человеческие моноклональные антитела обладали многообещающим терапевтическим потенциалом для лечения различных

25 заболеваний человека (Gibson et al., 2006, Randomized phase III trial results of panitumumab, a fully human anti-epidermal growth factor receptor monoclonal antibody, in metastatic colorectal cancer, Clin Colorectal Cancer 6:29-31; Jakobovits et al., 2007; Kim et al., 2007, Clinical efficacy of zanolimumab (HuMax-CD4): two Phase II studies in refractory cutaneous T-cell lymphoma, Blood 109(11):4655-62; Lonberg, 2005, Human antibodies from transgenic animals, Nat Biotechnol

30 23:1117-1125; Maker et al., 2005, Tumor regression and autoimmunity in patients treated with cytotoxic T lymphocyte-associated antigen 4 blockade and interleukin 2: a phase I/II study, Ann Surg Oncol 12:1005-1016; McClung et al., 2006, Denosumab in postmenopausal women with low bone mineral density, New Engl J Med 354:821-831). Однако, как говорилось выше, у указанных мышей наблюдаются дефекты развития В-клеток и иммунодефицит по

35 сравнению с мышами дикого типа. Такие проблемы потенциально ограничивают способность указанных мышей поддерживать интенсивный гуморальный ответ и, как следствие, синтезировать полностью человеческие антитела против некоторых антигенов. Дефицит может быть обусловлен: (1) недостаточной функциональностью из-за случайного встраивания трансгенов иммуноглобулина человека и, в результате,

40 некорректной экспрессии, обусловленной недостатком 5' и 3' контролирующих элементов (Garrett et al., 2005, Chromatin architecture near a potential 3' end of the IgH locus involves modular regulation of histone modifications during B-Cell development and in vivo occupancy at CTCF sites, Mol Cell Biol 25:1511-1525; Manis et al., 2003, Elucidation of a downstream boundary of the 3' IgH regulatory region, Mol Immunol 39:753-760; Pawlitzky et

45 al., 2006, Identification of a candidate regulatory element within the 5' flanking region of the mouse IgH locus defined by pro-B cell-specific hypersensitivity associated with binding of PU.1, Pax5, and E2A, J Immunol 176:6839-6851); (2) неэффективным межвидовым взаимодействием между константными доменами человека и мышиными компонентами

В-клеточного рецепторного сигнального комплекса на поверхности клетки, что может нарушать процессы сигнализации, требуемые для нормального созревания, пролиферации и выживания В-клеток (Hombach et al., 1990, Molecular components of the B-cell antigen receptor complex of the IgM class, Nature 343:760-762); и (3) неэффективными межвидовыми взаимодействиями между растворимыми иммуноглобулинами человека и Fc-рецепторами мыши, что может ослаблять аффинную селекцию (Rao et al., 2002, Differential expression of the inhibitory IgG Fc receptor FcgammaRIIB on germinal center cells: implications for selection of high-affinity B cells, J Immunol 169:1859-1868) и снижать концентрации иммуноглобулина в сыворотке (Brambell et al., 1964, A Theoretical Model of Gamma-Globulin Catabolism, Nature 203:1352-1354; Junghans and Anderson, 1996, The protection receptor for IgG catabolism is the beta2-microglobulin-containing neonatal intestinal transport receptor, PNAS USA 93:5512-5516; Rao et al., 2002; Hjelm et al., 2006, Antibody-mediated regulation of the immune response, Scand J Immunol 64:177-184; Nimmerjahn and Ravetch, 2007, Fc-receptors as regulators of immunity, Adv Immunol 96:179-204). Указанные недостатки могут быть скорректированы *in situ* гуманизацией только вариабельных областей локусов иммуноглобулина мыши в их естественных положениях в эндогенных локусах тяжелой и легкой цепи. Это должно приводить к успешному получению мышей, синтезирующих «обратно-гибридные» (т.е. содержащие V-области человека/ С-области мыши) антитела, способные normally взаимодействовать и проходить селекцию у мышей благодаря сохранению константных областей мыши. Кроме того, такие обратно-гибридные антитела могут с легкостью быть преобразованы в полностью человеческие антитела для терапевтических целей.

[000197] Генетически модифицированные животные, у которых в эндогенном локусе тяжелой цепи иммуноглобулина присутствует замена на гетерологичные (например, другого вида) последовательности иммуноглобулина, могут быть получены в сочетании с заменами в эндогенных локусах легких цепей иммуноглобулина или в сочетании с трансгенами легкой цепи иммуноглобулина (например, гибридными трансгенами легкой цепи иммуноглобулина, или полностью человеческими, полностью мышевыми, и т.п.). Виды, из которых происходят гетерологичные последовательности тяжелой цепи иммуноглобулина, могут быть различными, как и в случае последовательностей легкой цепи иммуноглобулина, используемых для замены последовательностей легкой цепи иммуноглобулина или в качестве трансгенов легкой цепи иммуноглобулина.

[000198] Последовательности нуклеиновой кислоты вариабельных областей иммуноглобулина, например, V, D и/или J сегменты, получают согласно различным вариантам реализации от человека или от не являющегося человеком животного. Не являющиеся человеком животные, подходящие для получения V, D и/или J сегментов, включают, например костистых рыб, хрящевых рыб, таких как акулы и скаты, амфибий, рептилий, млекопитающих, птиц (например, куры). Не являющиеся человеком животные включают, например, млекопитающих. Указанные млекопитающие включают, например, не являющихся человеком приматов, козьих, баранов, свиней, собак, крупный рогатый скот (например, корову, быка, буйвола), оленых, верблюдов, куньих и грызунов, и не являющихся человеком приматов (таких как шимпанзе, орангутаны, гориллы, игрунковые, макаки-резусы, бабуины). Подходящие не являющиеся человеком животные выбраны из семейства грызунов, включая крыс, мышей и хомяков. Согласно одному из вариантов реализации указанные не являющиеся человеком животные представляют собой мышей. Как очевидно из контекста, различные не являющиеся человеком животные могут применяться в качестве источника вариабельных доменов или генных сегментов вариабельной области (например, акулы, скаты, млекопитающие

(например, верблюды, грызуны, такие как мыши и крысы).

[000199] В соответствии с контекстом не являющихся человеком животных также применяют в качестве источников последовательностей константной области для применения в сочетании с вариабельными последовательностями или сегментами;

5 например, в трансгенах могут быть использованы константные последовательности грызуна, функционально связанные с вариабельными последовательностями человека или не происходящими от человека (например, вариабельные последовательности человека или не являющегося человеком примата функционально связаны, например, с константными последовательностями грызуна, например, мыши, крысы или хомяка).

10 Соответственно, согласно различным вариантам реализации V, D, и/или J сегменты человека функционально связаны с последовательностями генов константной области грызуна(например, мыши, крысы или хомяка). Согласно некоторым вариантам реализации V, D, и/или J сегменты человека (или один или более реаранжированные VDJ или VJ гены) функционально связаны или слиты с последовательностью гена

15 константной области мыши, крысы, или хомяка, например, в трансгене, встроенным в локус, не являющийся эндогенным локусом иммуноглобулина.

[000200] Согласно конкретному варианту реализации предложена мышь, у которой V_H, D_H и J_H сегменты в эндогенном локусе тяжелой цепи иммуноглобулина заменены на один или более сегментов V_H, D_H и J_H человека, при этом указанный один или 20 более сегментов V_H, D_H и J_H человека функционально связаны с геном тяжелой цепи эндогенного иммуноглобулина; при этом указанная мышь содержит трансген в локусе, отличном от эндогенного локуса иммуноглобулина, при этом указанный трансген содержит переаранжированный или реаранжированный сегмент V_L человека и J_L

25 человека, функционально связанный с константной областью мыши, крысы или человека.

[000201] Описан способ масштабной *in situ* генетической замены вариабельных локусов генов иммуноглобулина зародышевой линии мыши на вариабельные локусы генов иммуноглобулина зародышевой линии человека при поддержании способности 30 указанных мышей производить потомство. В частности, описана точная замена шести мегабаз локусов вариабельных генов как тяжелой цепи, так и к легкой цепи иммуноглобулина мыши их человеческими эквивалентами, при сохранении интактных константных областей мыши. В итоге получены мыши с точной заменой всего репертуара вариабельных иммуноглобулиновых последовательностей зародышевой 35 линии эквивалентными вариабельными иммуноглобулиновыми последовательностями зародышевой линии человека, при сохранении константных областей мыши.

Вариабельные области иммуноглобулинов человека соединяют с константными областями иммуноглобулинов мыши с образованием гибридных иммуноглобулиновых локусов человек/мышь, которые реаранжируются и экспрессируются на нормальном 40 физиологическом уровне. Экспрессируемые антитела представляют собой «обратные гибриды», т.е. они содержат последовательности вариабельных областей иммуноглобулинов человека и последовательности константных областей иммуноглобулинов мыши. Таких мышей, у которых имеются гуманизированные 45 вариабельные области иммуноглобулина, экспрессирующих антитела с вариабельными областями человека и константными областями мыши, называют мышами VELCOIMMUNE®.

[000202] У гуманизированных мышей VELCOIMMUNE® наблюдается полностью функциональная гуморальная иммунная система, практически неотличимая от таковой

мышей дикого типа. У них наблюдаются нормальные клеточные популяции на всех стадиях развития В-клеток. У них наблюдается нормальная морфология лимфоидных органов. В последовательностях антител мышей VELOCIMMUNE® наблюдается нормальная V(D)J-реаранжировка и нормальная частота соматических сверхмутаций.

- 5 Популяции антител у указанных мышей отражают распределение изотипов в результате нормального переключения классов (например, нормального *cis*-переключения изотипов). Иммунизация мыши VELOCIMMUNE® приводит к мощному гуморальному иммунному ответу с генерацией больших разнообразных репертуаров антител, содержащих вариабельные домены иммуноглобулина человека, подходящие для
 10 применения в качестве кандидатных терапевтических средств. Эта платформа обеспечивает богатый источник последовательностей вариабельных областей иммуноглобулина человека с естественно созревающей аффинностью для получения фармацевтически приемлемых антител и других антигенсвязывающих белков.

[000203] Получение мышей VELOCIMMUNE® возможно за счет точной замены
 15 вариабельных последовательностей иммуноглобулина мыши на вариабельные последовательности иммуноглобулина человека. Однако даже точная замена эндогенных последовательностей иммуноглобулина мыши в локусах тяжелой и легкой цепей на эквивалентные последовательности иммуноглобулина человека, последовательным рекомбинированием очень больших участков последовательностей
 20 иммуноглобулина человека, может представлять определенные проблемы в связи с дивергентной эволюции иммуноглобулиновых локусов у мыши и человека. Например, межгенные последовательности, рассеянные по иммуноглобулиновым локусам, не идентичны у мышей и человека и, в определенных обстоятельствах, могут не быть функционально эквивалентными. Различия в иммуноглобулиновых локусах мыши и
 25 человека все равно могут приводить к аномалиям у гуманизированных мышей, в частности, при гуманизации или манипулировании определенными фрагментами эндогенных локусов тяжелой цепи иммуноглобулина мыши. Некоторые модификации в локусах тяжелой цепи иммуноглобулина мыши оказывают пагубное воздействие. Оказывающие пагубное воздействие модификации могут включать, например, потерю
 30 способности модифицированных мышей к спариванию и производству потомства.

[000204] Осуществляли точную крупномасштабную *in situ* замену шести мегабаз вариабельных областей тяжелой и легкой цепи иммуноглобулиновых локусов мыши (V_H - D_H - J_H и V_K - J_K) соответствующими последовательностями генома человека размером 1,4 мегабазы, оставляя интактными и функциональными фланкирующие мышиные
 35 последовательности в гибридных локусах, в том числе все мышиные гены константных цепей и локус-контролирующие области (ФИГ.1А и ФИГ.1В). В частности, генные последовательности V_H , D_H , J_H , V_K и J_K человека вводили, поэтапно встраивая 13 гибридных направленных векторов ВАС, несущих перекрывающиеся фрагменты
 40 локусов вариабельных областей зародышевой линии человека, в мышиные ЭС-клетки с применением генноинженерной технологии VELOCIGENE® (см., например, патент США №6586251 и Valenzuela et al., 2003, High-throughput engineering of the mouse genome coupled with high-resolution expression analysis, Nat Biotechnol 21:652-659).

[000205] Гуманизация генов иммуноглобулина мыши представляет собой самую крупную генетическую модификацию генома мыши на сегодняшний день. В то время как предыдущие попытки, задействовавшие случайным образом встроенные трансгены иммуноглобулина человека, увенчались некоторым успехом (см. выше), прямая замена генов иммуноглобулина мыши эквивалентами человека резко увеличивает эффективность синтеза полностью человеческих антител у нормальных во всех прочих

отношениях мышей. Далее, у таких мышей наблюдается резкое увеличение разнообразия полностью человеческих антител, чего можно добиться иммунизацией практически любым антигеном, по сравнению с мышами, у которых содержатся деактивированные эндогенные локусы и трансгены полностью человеческих антител. Многочисленные 5 варианты с замещенными гуманизированными локусами демонстрируют полностью нормальные уровни зрелых и незрелых В-клеток, в отличие от мышей со случайным образом встроенными трансгенами человека, у которых наблюдается значительное уменьшение популяций В-клеток на разных стадиях дифференцировки. В то время как попытки увеличить число генных сегментов человека в несущих трансгены человека 10 мышах уменьшили указанные дефекты, расширение репертуара иммуноглобулинов не полностью устранило сокращение популяций В-клеток по сравнению с мышами дикого типа.

[000206] Несмотря на практически дикий тип гуморального иммунитета, наблюдаемый у мышей с замещенными иммуноглобулиновыми локусами (т.е. мышей 15 VELOCIMMUNE®), существуют и другие проблемы, возникающие при использовании прямой замены иммуноглобулина, не свойственные некоторым подходам, при которых используют случайным образом встроенные трансгены. Различия в генетическом составе иммуноглобулиновых локусов мыши и человека привело к открытию последовательностей, благоприятных для размножения мышей с замещенными генными 20 сегментами иммуноглобулина. В частности, оптимально, чтобы гены ADAM мыши, расположенные в эндогенном локусе иммуноглобулина, присутствовали у мышей с замещенными иммуноглобулиновыми локусами, по причине их значения для фертильности.

Положение в геноме и функция ADAM6 мыши

[000207] У мышей-самцов с отсутствием способности к экспрессии любого функционального белка ADAM6 неожиданным образом наблюдается дефект способности к спариванию и производству потомства. У указанных мышей отсутствует способность к экспрессии функционального белка ADAM6 вследствие замены всех или практически всех генных сегментов вариабельных областей иммуноглобулина мыши 25 на генные сегменты вариабельных областей иммуноглобулинов человека. Утрата функции ADAM6 происходит ввиду того, что локус ADAM6 расположен внутри генного локуса вариабельной области тяжелой цепи эндогенного иммуноглобулина мыши, проксимального в отношении 3'-конца локуса V_H генного сегмента, расположенного в 5'-направлении от генных сегментов D_H. Получение самцов и самок, каждый из 30 которых гомозиготен по указанной замене, и ожидание продуктивного спаривания обычно является трудоемким способом размножения мышей, гомозиготных по замене всех или практически всех эндогенных вариабельных генных сегментов тяжелой цепи мыши на вариабельные генные сегменты тяжелой цепи человека. Успешные пометы 35 редки и немногочисленны. Вместо этого использовали самцов, гетерозиготных по указанной замене, для спаривания с самками, гомозиготными по указанной замене, для получения потомства, гетерозиготного по указанной замене, затем при его 40 размножении получали гомозиготную мышь. Авторы изобретения обнаружили, что вероятной причиной утраты фертильности у мышей-самцов является отсутствие у гомозиготных мышей-самцов функционального белка ADAM6.

[000208] Согласно различным аспектам у мышей-самцов с поврежденным (т.е. нефункциональным или ограниченно функциональным) геном ADAM6 наблюдается снижение или полное подавление фертильности. Так как у мышей (и других грызунов) ген ADAM6 расположен в локусе тяжелой цепи иммуноглобулина, авторы изобретения

выяснили, что для размножения мышей, или для создания и поддержания линии мышей с замещенным локусом тяжелой цепи иммуноглобулина, применяются различные модифицированные схемы скрещивания или размножения. Низкая фертильность или бесплодность мышей-самцов, гомозиготных по замене локуса вариабельного гена

5 тяжелой цепи эндогенного иммуноглобулина, усложняет сохранение такой модификации в линии мышей. Согласно различным вариантам реализации поддержание линии включает обход проблем с бесплодностью, наблюдавшейся у мышей-самцов, гомозиготных по указанной замене.

[000209] Согласно одному из аспектов предложен способ поддержания линии мышей

10 согласно настоящему описанию. Указанная линия мышей не нуждается в присутствии эктопической последовательности ADAM6, и, согласно различным вариантам реализации, указанная линия мышей гомозиготна или гетерозиготна по нокауту (например, функциональному нокауту) ADAM6.

[000210] У указанной линии мышей присутствует модификация эндогенного локуса

15 тяжелой цепи иммуноглобулина, приводящая к снижению или утрате фертильности у мышей-самцов. Согласно одному из вариантов реализации указанная модификация включает удаление регуляторной области и/или кодирующей области гена ADAM6. Согласно конкретному варианту реализации указанная модификация включает модификацию эндогенного гена ADAM6 (регуляторной и/или кодирующей области),
20 которая уменьшает или элиминирует фертильность мышей-самцов, у которых присутствует указанная модификация; согласно конкретному варианту реализации указанная модификация уменьшает или элиминирует фертильность у мышей-самцов, гомозиготных по указанной модификации.

[000211] Согласно одному из вариантов реализации указанная линия мышей

25 гомозиготна или гетерозиготна по нокауту (например, функциональному нокауту) или делеции гена ADAM6.

[000212] Согласно одному из вариантов реализации указанную линию мышей поддерживают посредством извлечения из мыши, гомозиготной или гетерозиготной по указанной модификации, клетки, введение указанной донорской клетки в эмбрион 30 хозяина, вынашивание указанного эмбриона хозяина с донорской клеткой суррогатной матерью и получение от суррогатной матери потомства, у которого присутствует указанная генетическая модификация. Согласно одному из вариантов реализации донорская клетка представляет собой ЭС-клетку. Согласно одному из вариантов реализации донорская клетка представляет собой плюрипотентную клетку, например, 35 индуцированную плюрипотентную клетку.

[000213] Согласно одному из вариантов реализации линию мышей поддерживают посредством извлечения из мыши, гомозиготной или гетерозиготной по указанной модификации, последовательности нуклеиновой кислоты, содержащей указанную модификацию, и введение указанной последовательности нуклеиновой кислоты в ядро 40 хозяина, и вынашивание клетки, содержащей последовательность нуклеиновой кислоты и ядро хозяина, подходящим животным. Согласно одному из вариантов реализации указанную последовательность нуклеиновой кислоты вводят в ооцит хозяина.

[000214] Согласно одному из вариантов реализации указанную линию мышей поддерживают посредством извлечения из мыши, гомозиготной или гетерозиготной 45 по указанной модификации, ядра, и введения указанного ядра в клетку хозяина, вынашивание указанного ядра и клетки хозяина подходящим животным для получения потомства, гомозиготного или гетерозиготного по указанной модификации.

[000215] Согласно одному из вариантов реализации указанную линию мышей

поддерживают с помощью применения *in vitro* оплодотворения (IVF) самки мыши (дикого типа, гомозиготной по указанной модификации или гетерозиготной по указанной модификации) спермой самца мыши, содержащей указанную генетическую модификацию. Согласно одному из вариантов реализации самец мыши гетерозиготен по указанной генетической модификации. Согласно одному из вариантов реализации самец мыши гомозиготен по указанной генетической модификации.

[000216] Согласно одному из вариантов реализации указанную линию мышей поддерживают с помощью скрещивания самца мыши, гетерозиготного по указанной генетической модификации с самкой мыши для получения потомства, у которого

10 присутствует указанная генетическая модификация, выявление в потомстве самцов и самок, у которых присутствует указанная генетическая модификация, и применение самца, гетерозиготного по указанной генетической модификации для скрещивания с самкой дикого типа, гомозиготной или гетерозиготной по указанной генетической модификации для получения потомства, у которого присутствует указанная генетическая

15 модификация. Согласно одному из вариантов реализации этап скрещивания самца, гетерозиготного по указанной генетической модификации, с самкой дикого типа, самкой, гетерозиготной по указанной генетической модификации, или самкой, гомозиготной по указанной генетической модификации, повторяют с целью сохранения указанной генетической модификации в данной линии мышей.

20 [000217] Согласно одному из аспектов предложен способ поддержания линии мышей, включающий замену локуса вариабельного гена тяжелой цепи эндогенного иммуноглобулина одной или более последовательностями тяжелой цепи иммуноглобулина человека, включающий разведение указанной линии мышей для получения гетерозиготных мышей-самцов, где указанные гетерозиготные мыши-самцы

25 размножаются для сохранения указанной генетической модификации в данной линии. Согласно конкретному варианту реализации указанную линию не поддерживают путем какого-либо скрещивания гомозиготного самца с самкой дикого типа, или самкой, гомозиготной или гетерозиготной по указанной генетической модификации.

[000218] Белок ADAM6 является членом семейства белков ADAM, где ADAM

30 представляет собой сокращение от «А-дезинтегрин и металлопротеаза». Семейство белков ADAM многочисленно и разнообразно, выполняет различные функции, включая клеточную адгезию. Некоторые члены семейства ADAM задействованы в сперматогенезе и фертилизации. Например, ADAM2 кодирует субъединицу белка фертилина, задействованного во взаимодействии спермия и яйцеклетки. ADAM3, или циритестин,

35 по-видимому, необходим для связывания спермы с zona pellucida. Отсутствие любого из ADAM2 или ADAM3 приводит к бесплодию. Высказывалось предположение, что ADAM2, ADAM3, и ADAM6 образуют комплекс на поверхности спермии мыши. Ген ADAM6 человека, который в норме находится между генными сегментами V_H V_H1-2 и V_H6-1 человека, по-видимому, является псевдогеном (Фиг.12). У мышей присутствует

40 два гена ADAM6 - ADAM6a и ADAM6b, которые расположены в межгенной области между генными сегментами V_H и D_H мыши, и у мышей ориентация транскрипции генов ADAM6a и ADAM6b противоположна относительно окружающих сегментов гена иммуноглобулина (ФИГ.12). У мышей функциональный локус ADAM6 с очевидностью

45 необходим для нормальной фертилизации. Функциональный ADAM6 локус или последовательность в этом случае относится к локусу или последовательности ADAM6, способной увеличивать или восстанавливать существенно сниженную фертильность, наблюдавшуюся у мышей-самцов с отсутствующими или нефункциональными эндогенными

локусами ADAM6.

[000219] Положение межгенной последовательности, кодирующей ADAM6a и ADAM6b, у мышей позволяет модифицировать указанную межгенную последовательность при модификации эндогенной тяжелой цепи мыши. Если генные сегменты V_H удалены или заменены, либо если генные сегменты D_H удалены или заменены, имеется высокая вероятность того, что у полученной мыши будет наблюдаться серьезное снижение фертильности. Чтобы компенсировать указанное снижение, мышь модифицируют, вводя последовательность нуклеотидов, кодирующую белок, восстанавливающий активность ADAM6, утраченную в результате модификации эндогенного локуса ADAM6 мыши. Согласно различным вариантам реализации комплементирующая последовательность нуклеотидов представляет собой последовательность, кодирующую ADAM6a мыши, ADAM6b мыши, или их гомолог, ортолог или функциональный фрагмент, восполняющий дефицит фертильности.

[000220] Последовательность нуклеотидов, восстанавливающая фертильность может быть размещена в любом подходящем положении. Она может находиться в межгенной области, или в любом подходящем положении в геноме (т.е. эктопически). Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность нуклеотидов может быть введена в трансген, который случайным образом встраивают в геном мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность может располагаться эпизомно, то есть в нуклеиновой кислоте вне хромосомы мыши. Подходящие положения включают положения, транскрипционно пермиссивные или транскрипционно активные, например, локус ROSA26 (Zambrowicz et al., 1997, PNAS USA 94:3789-3794), а BT-5 locus (Michael et al., 1999, Mech. Dev. 85:35-47), или локус Oct4 (Wallace et al., 2000, Nucleic Acids Res. 28:1455-1464). Нацеливание нуклеотидных последовательностей на транскрипционно активные локусы описаны, например, в US 7473557, включенном в настоящую заявку посредством ссылки.

[000221] Как вариант, последовательность нуклеотидов, восстанавливающая фертильность, может сочетаться с индуцируемым промотором таким образом, чтобы способствовать оптимальной экспрессии, в подходящих клетках и/или тканях, например, репродуктивных тканях. Типовые индуцируемые промоторы включают промоторы, активируемые физическими (например, промотор теплового шока) и/или химическими факторами (например, ИПТГ или тетрациклином).

[000222] Далее, экспрессия указанной последовательности нуклеотидов могут быть связаны с другими генами таким образом, чтобы добиться экспрессии на конкретных стадиях развития или в конкретных тканях. Такой экспрессии можно добиться установлением функциональной связи последовательности нуклеотидов с промотором гена, экспрессируемого на конкретной стадии развития. Например, последовательности иммуноглобулина из одного вида, встроенные в геном вида-хозяина, функционально связывают с последовательностью промотора гена CD19 (гена, специфичного для В-клетки) вида-хозяина. Достигается специфичная для В-клеток экспрессия на точно определенных стадиях развития, когда экспрессируются иммуноглобулины.

[000223] Еще один способ достижения мощной экспрессии встроенной последовательности нуклеотидов состоит в применении конститтивного промотора. Типовые конститтивные промоторы включают SV40, CMV, UBC, EF1A, PGK и CAGG. Сходным образом, требуемая последовательность нуклеотидов функционально связана с выбранным конститтивным промотором, который обеспечивает высокий уровень экспрессии белка(ов), кодируемых указанной нуклеотидной последовательностью.

[000224] Предполагается, что термин «эктопический» включает перемещение, или

размещение в положении, в норме не встречающемся в природе (например, размещение последовательности нуклеиновой кислоты в положении, не совпадающем с положением, которое указанная последовательность нуклеиновой кислоты занимает у мыши дикого типа). Указанный термин, согласно различным вариантам реализации, применяют для обозначения объекта, находящегося вне его нормального, или присущего ему, положения. Например, выражение «эктопическая последовательность нуклеотидов, кодирующая...» относится к последовательности нуклеотидов, находящейся не в том положении, в котором она обычно встречается у мыши. Например, в случае эктопической последовательности нуклеотидов, кодирующей белок ADAM6 мыши (или его ортолог, гомолог или фрагмент, оказывающий такое же или сходное благоприятное действие на fertильность мышей-самцов), указанная последовательность может быть размещена в положении в геноме мыши, не совпадающем с положением, в котором она в норме обнаруживается у мыши дикого типа. В таких случаях за счет размещения указанной последовательности в геноме мыши в положении, отличном от положения у мыши дикого типа, образуется новое сочленение последовательности мыши.

Функциональный гомолог или ортолог ADAM6 мыши представляет собой последовательность, восстанавливающую утраченную fertильность (например, потерю способности мышей-самцов производить потомство посредством спаривания), наблюдавшуюся у мыши ADAM6^{-/-}. Функциональные гомологи или ортологи включают белки, идентичные по меньшей мере приблизительно на 89% или более, например, до 99%, аминокислотной последовательности ADAM6a и/или аминокислотной последовательности ADAM6b, и способные улучшать или восстанавливать способность успешно спариваться у мыши, генотип которой включает удаление или нокаут ADAM6a и/или ADAM6b.

[000225] Эктопическим положением может быть любое положение (например, при случайном встраивании трансгена, содержащего последовательность ADAM6 мыши), или, например, положение, приблизительно соответствующее (но не совпадающее) с расположением у мыши дикого типа (например, в модифицированном эндогенном локусе иммуноглобулина мыши, но в 5' направлении либо в 3'-направлении от естественного положения, например, внутри модифицированного иммуноглобулинового локуса, но между другими генными сегментами, или в другом положении в межгенной последовательности мыши V-D). Одним из примеров эктопического расположения является расположение в локусе тяжелой цепи гуманизированного иммуноглобулина. Например, мышь, у которой один или более эндогенные генные сегменты V_H заменены на генные сегменты V_H человека, причем в результате указанной замены удаляется эндогенная последовательность ADAM6, может быть сконструирована таким образом, что у нее присутствует последовательность ADAM6 мыши, расположенная внутри последовательности, включающей генные сегменты V_H человека. Полученная модификация будет давать (эктопическую) последовательность ADAM6 мыши внутри генной последовательности человека, и указанное (эктопическое) размещение последовательности ADAM6 мыши в генной последовательности человека может приблизительно соответствовать положению псевдогена человека ADAM6 (т.е. между двумя V сегментами), либо может приблизительно соответствовать положению последовательности ADAM6 мыши (т.е. внутри V-D межгенной области). Границы полученной последовательности, образованной при присоединении (эктопической) последовательности ADAM6 мыши к генной последовательности человека (например, последовательности гена иммуноглобулина) или в непосредственной близости от нее

в зародышевой линии мыши, будут новыми относительно того же или сходного положения в геноме мыши дикого типа.

- [000226] Согласно различным вариантам реализации предложены не являющиеся человеком животные, у которых отсутствует ADAM6 или его ортолог или гомолог, при этом указанное отсутствие приводит к бесплодности указанного не являющегося человеком животного, или существенно уменьшает фертильность указанного не являющегося человеком животного. Согласно различным вариантам реализации отсутствие ADAM6 или его ортолога или гомолога является результатом модификации эндогенного локуса тяжелой цепи иммуноглобулина. Существенное снижение фертильности представляет собой, например, снижение фертильности (например, частоты скрещивания, числа детенышей в помете, количества пометов в год, и т.п.) приблизительно на 50%, 60%, 70%, 80%, 90%, или 95% или более. Согласно различным вариантам реализации указанным не являющимся человеком животным вводят ген ADAM6 мыши, либо его ортолог, гомолог или функциональный фрагмент,
- функциональный у самцов указанного не являющегося человеком животного, при этом указанный добавленный ген ADAM6 либо его ортолог, гомолог или функциональный фрагмент восстанавливает сниженную фертильность полностью или в значительной степени. Восстановление фертильности в значительной степени представляет собой, например, такое восстановление фертильности, при котором у не являющегося человеком животного наблюдается фертильность, составляющая по меньшей мере 70%, 80% или 90%, или более от фертильности при немодифицированном (т.е. у животного без модификации гена ADAM6, или его ортолога или гомолога) локусе тяжелой цепи.

- [000227] Последовательность, придающая генетически модифицированному животному (т.е. животному, у которого отсутствует функциональный ADAM6 или его ортолог или гомолог, например, в результате модификации локуса тяжелой цепи иммуноглобулина) выбрана, согласно различным вариантам реализации, из гена ADAM6 или его ортолога или гомолога. Например, у мыши утрата функции ADAM6 восстанавливается добавлением, согласно одному из вариантов реализации, мышного гена ADAM6. Согласно одному из вариантов реализации утраченная функция ADAM6 у мыши восстанавливается при добавлении ортолога или гомолога близкородственного для указанной мыши вида, например, грызуна, в частности, мыши другой линии или вида, крысы любого вида, грызуна; при этом указанное добавление ортолога или гомолога мыши восстанавливает фертильность, утраченную в результате утраты функции ADAM6 или утраты гена ADAM6. Ортологи и гомологи других видов согласно различным вариантам реализации выбраны из филогенетически родственных видов и, согласно различным вариантам реализации, демонстрируют процент идентичности эндогенному ADAM6 (или ортологу), составляющий приблизительно 80% или более, 85% или более, 90% или более, 95% или более, 96% или более, или 97% или более; и восстанавливают фертильность, утрата которой связана с ADAM6 или (у не-мышей) с ортологом ADAM6. Например, у генетически модифицированного самца крысы, у которого отсутствует функция ADAM6 (например, крысы, у которой вариабельная область тяжелой цепи эндогенного иммуноглобулина заменена на вариабельную область тяжелой цепи иммуноглобулина человека, или с нокаутом в области тяжелой цепи иммуноглобулина крысы), утраченная фертильность восстанавливается при добавлении ADAM6 крысы, либо, согласно некоторым вариантам реализации, ортолога ADAM6 крысы (например, ортолога ADAM6 другой линии или вида крыс, или, согласно одному из вариантов реализации, мыши).

[000228] Соответственно, согласно различным вариантам реализации у генетически модифицированных животных, у которых наблюдается отсутствие фертильности или снижение фертильности из-за модификации последовательности нуклеиновой кислоты, кодирующей белок ADAM6 (или его ортолог или гомолог) или регуляторной области, функционально связанной с указанной последовательностью нуклеиновой кислоты, присутствует последовательность нуклеиновой кислоты, которая восполняет, или восстанавливает, утрату фертильности, при этом указанная последовательность нуклеиновой кислоты, которая восполняет или восстанавливает утрату фертильности, взята из другой линии того же вида или из филогенетически родственного вида. Согласно различным вариантам реализации указанная комплементирующая последовательность нуклеиновой кислоты представляет собой ортолог, гомолог или функциональный фрагмент ADAM6. Согласно различным вариантам реализации указанный комплементирующий ортолог, гомолог или функциональный фрагмент ADAM6 взят от не являющегося человеком животного, близкородственного генетически модифицированному животному, у которого присутствует дефект фертильности. Например, если генетически модифицированное животное представляет собой мышь конкретной линии, ортолог, гомолог или функциональный фрагмент ADAM6 может быть получен из мыши другой линии или мыши родственного вида. Согласно одному из вариантов реализации в случае, когда указанное генетически модифицированное животное с дефектом фертильности относится к порядку Rodentia, ортолог или гомолог ADAM6 или его функциональный фрагмент взят от другого животного порядка Rodentia. Согласно одному из вариантов реализации указанное генетически модифицированное животное с дефектом фертильности относится к подотряду Myomorpha (например, тушканчики, мышковые, мышевидные хомяки, хомяки, американские крысы и мыши, полевки, истинные мыши и крысы, песчанки, иглистые мыши, косматые хомяки, лазающие мыши, скальные крысы, белохвостые крысы, мадагаскарские крысы и мыши, колючие сони, кроты, бамбуковые крысы, цокоры), а ортолог или гомолог ADAM6, или его функциональный фрагмент, выбран из таковых от животного порядка Rodentia или подотряда Myomorpha.

[000229] Согласно одному из вариантов реализации указанное генетически модифицированное животное относится к надсемейству Dipodoidea, и ортолог или гомолог ADAM6 или его функциональный фрагмент происходит из надсемейства Muroidea. Согласно одному из вариантов реализации указанное генетически модифицированное животное относится к надсемейству Muroidea, и ортолог или гомолог ADAM6 или его функциональный фрагмент происходит из надсемейства Dipodoidea.

[000230] Согласно одному из вариантов реализации указанное генетически модифицированное животное представляет собой грызуна. Согласно одному из вариантов реализации указанный грызун выбран из надсемейства Muroidea, и ортолог или гомолог ADAM6 взят от другого вида надсемейства Muroidea. Согласно одному из вариантов реализации указанное генетически модифицированное животное относится к семейству, выбранному из Calomyscidae (например, мышевидные хомяки), Cricetidae (например, хомяк, американские крысы и мыши, полевки), Muridae (истинные мыши и крысы, песчанки, иглистые мыши, косматые хомяки), Nesomyidae (лазающие мыши, скальные крысы, белохвостые крысы, мадагаскарские крысы и мыши), Platacanthomyidae (например, колючие сони), и Spalacidae (например, кроты, бамбуковые крысы и цокоры); и ортолог или гомолог ADAM6 выбран из другого вида того же семейства. Согласно конкретному варианту реализации указанный генетически модифицированный грызун выбран из истинной мыши или крысы (семейство Muridae), и ортолог или гомолог

ADAM6 взят от вида, выбранного из песчанки, иглистой мыши или косматый хомяк. Согласно одному из вариантов реализации генетически модифицированная мышь является представителем семейства Muridae, и ортолог или гомолог ADAM6 взят от другого вида семейства Muridae. Согласно конкретному варианту реализации генетически модифицированный грызун представляет собой мышь семейства Muridae, и ортолог или гомолог ADAM6 взят от крысы, песчанки, иглистой мыши или косматого хомяка из семейства Muridae.

[000231] Согласно различным вариантам реализации один или более ортологов или гомологов ADAM6 грызуна из какого-либо семейства, или их функциональные фрагменты, восстанавливают fertильность генетически модифицированного грызуна того же семейства, у которого отсутствует ортолог или гомолог ADAM6 (например, Cricetidae (например, хомяки, американские крысы и мыши, полевки); Muridae (например, истинные мыши и крысы, песчанки, иглистые мыши, косматые хомяки)).

[000232] Согласно различным вариантам реализации оценивают функциональность ортологов, гомологов ADAM6 и их фрагментов, удостоверяясь, что указанный ортолог, гомолог или фрагмент восстанавливает fertильность генетически модифицированного самца не являющегося человеком животного, у которого отсутствует активность ADAM6 (например, грызуна, в частности, мыши или крысы, у которой присутствует нокаут ADAM6 или его ортолога). Согласно различным вариантам реализации функциональность определяют как способность спермы генетически модифицированного животного, у которого отсутствует эндогенный ADAM6 или его ортолог или гомолог, перемещаться по маточным трубам и оплодотворять яйцеклетку того же вида генетически модифицированного животного.

[000233] Согласно различным аспектам могут быть получены мыши, у которых локус вариабельной области эндогенной тяжелой цепи или его фрагменты удален(ы) или содержит(а)т замены, у которых присутствует эктопическая последовательность нуклеотидов, кодирующую белок, оказывающий благоприятное влияние на fertильность, сходное с таковым ADAM6 мыши (например, его ортолог, гомолог или фрагмент, функциональный у мышей-самцов). Указанная эктопическая последовательность нуклеотидов может включать последовательность нуклеотидов, кодирующую белок, представляющий собой гомолог или ортолог ADAM6 (или его фрагмент) другой линии мышей или другого вида, например, другого вида грызунов, и оказывающую благоприятное действие fertильность, например, увеличение количества пометов за определенный период времени, и/или увеличение количества детенышей в помете, и/или способность спермия мышей-самцов проходить через маточные трубы мыши для оплодотворения мышиной яйцеклетки.

[000234] Согласно одному из вариантов реализации ADAM6 представляет собой гомолог или ортолог, по меньшей мере на 89%-99% идентичный белку ADAM6 мыши (например, по меньшей мере на 89%-99% идентичный ADAM6a мыши или ADAM6b мыши). Согласно одному из вариантов реализации эктопическая последовательность нуклеотидов кодирует один или более белков, независимо выбранные из белка, по меньшей мере на 89% идентичного ADAM6a мыши, белка, по меньшей мере на 89% идентичного ADAM6b мыши, и их комбинации. Согласно одному из вариантов реализации указанный гомолог или ортолог представляет собой белок крысы, хомяка, мыши или морской свинки, который является, либо модифицирован таким образом, чтобы быть приблизительно на 89% или более идентичным ADAM6a мыши и/или ADAM6b мыши. Согласно одному из вариантов реализации идентичность указанного гомолога или ортолога в отношении ADAM6a мыши и/или ADAM6b мыши равна либо

составляет по меньшей мере 90%, 91%, 92%, 93%, 94%, 95%, 96%, 97%, 98%, или 99%.

Эктопическая ADAM6 в гуманизированной тяжелой цепи мыши

[000235] Развитие методов направленного воздействия на гены, например, разработка искусственных бактериальных хромосом (BAC), в настоящее время позволяет

5 рекомбинировать достаточно большие геномные фрагменты. Конструирование BAC обеспечило возможность удалять и встраивать большие участки в мышиные ЭС-клетки.

[000236] Мыши, синтезирующие антитела человека, существуют уже какое-то время. Несмотря на то, что такие мыши представляют собой важный шаг вперед в разработке терапевтических средств для человека на основе антител, у них наблюдается ряд

10 существенных аномалий, ограничивающих их применимость. Например, у них наблюдается дефекты развития В-клеток. Указанные дефекты развития могут быть результатом разнообразных отличий трансгенных мышей и мышей дикого типа.

[000237] Антитела человека могут не оптимальным образом взаимодействовать с мышиными пре-В-клеточными или В-клеточными рецепторами на поверхности клеток мыши, подающими сигналы для созревания, пролиферации или выживания при селекции клонов. Полностью человеческие антитела могут не оптимальным образом взаимодействовать с Fc-рецепторной системой мыши; мыши экспрессируют Fc-рецепторы, у которых не наблюдается взаимно однозначного соответствия с Fc-рецепторами человека. Наконец, у некоторых мышей, синтезирующих полностью 20 человеческие антитела, имеются не все природные последовательности мыши, например, 3'-энхансерные элементы и другие локус-контролирующие элементы, которые могут требоваться для развития В-клеток дикого типа.

[000238] У мышей, синтезирующих полностью человеческие антитела, как правило, имеются эндогенные иммуноглобулиновые локусы, деактивированные тем или иным 25 образом, и трансгены человека, содержащие вариабельные и константные сегменты гена иммуноглобулина, вводят в случайное положение в геноме мыши. При условии, что указанный эндогенный локус в достаточной степени деактивирован, так что не происходит реаранжировка генных сегментов с образованием функционального гена иммуноглобулина, можно добиться синтеза полностью человеческих антител такой 30 мышью, хоть и наряду с дефектами развития В-клеток.

[000239] Несмотря на успешность принудительного синтеза полностью человеческого антитела из трансгенного локуса человека, синтез антител человека у мышей представляет собой очевидно неблагоприятный процесс. У некоторых мышей указанный процесс настолько неблагоприятен, что приводит к образованию гибридных тяжелых 35 цепей с вариабельными областями иммуноглобулинов человека/константными областями мыши (но не легких цепей) за счет механизма trans-переключения. За счет этого механизма транскрипты, кодирующие полностью человеческие антитела, подвергаются изотипическому trans-переключению от изотипа человека к изотипу мыши. Указанный процесс представляет собой trans-процесс, поскольку полностью 40 человеческий трансген расположен вне эндогенного локуса, содержащего незатронутую копию гена константной области тяжелой цепи мыши. Хотя у таких мышей trans-переключение выражено очевидным образом, указанное явление все же не обеспечивает корректировку развития В-клеток, которое остается выражение дефектным. В любом случае, образованные при trans-переключении антитела, синтезируемые такими мышами, 45 сохраняют полностью человеческие легкие цепи, так как явление trans-переключения, очевидно, не затрагивает легкие цепи; trans-переключение предположительно зависит от последовательностей переключения в эндогенных локусах, используемых (хотя и по-разному) при нормальном cis-переключении изотипов. Соответственно, даже в

случае, если у мышей, сконструированных для получения полностью человеческого антитела, при синтезе антител с константными областями мыши выбирается механизм trans-переключения, указанная стратегия не способна обеспечить восстановление нормального развития В-клеток.

5 [000240] Главной задачей при создании терапевтических средств на основе антител человека является получение достаточно большого разнообразия последовательностей вариабельных областей иммуноглобулина человека для выявления подходящих вариабельных доменов, которые, в частности, распознают конкретные эпитопы и связывают их с требуемым сродством, обычно, но не всегда, с высоким сродством. До 10 получения мышей VELOCIMMUNE® (описанных в настоящей заявке) не было каких-либо данных, указывающих на то, что у мышей, экспрессирующих вариабельные области иммуноглобулинов человека с константными областями мыши будут наблюдаться какие-либо существенные отличия от мышей, синтезировавших антитела человека из трансгена. Однако это предположение было неверным.

15 [000241] У мышей VELOCIMMUNE® с точной заменой вариабельных областей иммуноглобулина мыши вариабельными областями иммуноглобулина человека в эндогенных локусах мыши наблюдается неожиданное примечательное сходство с мышами дикого типа в отношении развития В-клеток. Неожиданным и удивительным образом, у мышей VELOCIMMUNE® наблюдался практически нормальный ответ 20 дикого типа на иммунизацию, отличавшийся от ответа мышей дикого типа только одним важным качеством - вариабельные области, синтезируемые в ответ на иммунизацию, были полностью человеческими.

[000242] В эндогенных локусах мышей VELOCIMMUNE® проводят точную 25 крупномасштабную замену вариабельных областей зародышевой линии тяжелой цепи иммуноглобулина (Ig_H) и легкой цепи иммуноглобулина (например, к легкой цепи, Ig_K) мыши на соответствующие вариабельные области иммуноглобулина человека. Всего приблизительно шесть мегабаз локусов мыши заменяют приблизительно 1,5 мегабазами геномной последовательности человека. Указанная точная замена приводит к получению 30 мыши с гибридными иммуноглобулиновыми локусами, синтезирующей тяжелой и легкие цепи, содержащие вариабельные области человека и константную область мыши. При указанной точной замене мышиных V_H - D_H - J_H и V_K - J_K сегментов фланкирующие последовательности мыши остаются интактными и функциональными в указанных 35 гибридных иммуноглобулиновых локусах. Гуморальная иммунная система указанных мышей функционирует сходным с системой мыши дикого типа образом. Развитие В-клеток происходит беспрепятственно в любом существенном отношении, и у указанной мыши синтезируется большое разнообразие вариабельных областей иммуноглобулинов человека при стимуляции антигеном.

[000243] Получение мышей VELOCIMMUNE® возможно благодаря тому, что 40 сегменты гена иммуноглобулина тяжелой и к легкой цепи реаранжируются сходным образом у человека и у мыши, что не означает, что их локусы идентичны или хотя бы близки к этому - определенно это не так. Тем не менее, указанные локусы сходны в достаточной степени для того, чтобы обеспечить возможность гуманизации локуса генов вариабельной области тяжелой цепи посредством замены приблизительно трех 45 миллионов п.о. непрерывной последовательности мыши, содержащей все генные сегменты V_H , D_H и J_H , приблизительно одним миллионом оснований непрерывной геномной последовательности человека, в целом охватывающим эквивалентную последовательность локуса иммуноглобулина человека.

[000244] Согласно некоторым вариантам реализации дальнейшая замена определенных генных последовательностей константной области мыши генными последовательностями человека (например, замена последовательности C_H1 мыши последовательностью C_H1 человека, и замена последовательности C_L мыши последовательностью C_L человека) приводит к получению мышей с гибридными иммуноглобулиновыми локусами, синтезирующими антитела, содержащие вариабельные области иммуноглобулинов человека и частично человеческие константные области, подходящие, например, для получения фрагментов полностью человеческого антитела, например, полностью человеческих Fab. У мышей с гибридными иммуноглобулиновыми локусами наблюдается нормальная реаранжировка вариабельных генных сегментов, нормальная частота соматических сверхмутаций и нормальное переключение классов. У указанных мышей наблюдается гуморальная иммунная система, неотличимая мышей дикого типа, и нормальные клеточные популяции на всех стадиях развития В-клеток и нормальная структура лимфоидных органов - даже в тех случаях, когда у мышей отсутствует полный репертуар генных сегментов вариабельных областей человека. Иммунизация таких мышей приводит к мощному гуморальному ответу, при котором наблюдается большое разнообразие использования вариабельных генных сегментов.

[000245] Точная замена генных сегментов вариабельных областей зародышевой линии мыши позволяет получить мышей, у которых имеются частично человеческие иммуноглобулиновые локусы. Так как указанные частично человеческие иммуноглобулиновые локусы проходят нормальные реаранжировку, гипермутацию и переключение классов, указанные частично человеческие иммуноглобулиновые локусы дают у мыши антитела, содержащие вариабельные области иммуноглобулинов человека. Нуклеотидные последовательности, кодирующие указанные вариабельные области, могут быть идентифицированы и клонированы, затем слиты (например, в *in vitro* системе) с любыми выбранными последовательностями, например, иммуноглобулина любого изотипа, подходящими для конкретного применения, с получением антитела или антигенсвязывающего белка, происходящей полностью из последовательностей человека.

[000246] Для модификации мышиных эмбриональных стволовых (ЭС) клеток с точной заменой до трех мегабаз локуса тяжелой цепи иммуноглобулина мыши, включающих практически все генные сегменты V_H , D_H и J_H мыши, эквивалентными генными сегментами человека с применением до 1 мегабазы геномной последовательности человека, содержащей некоторые или практически все генные сегменты V_H , D_H и J_H человека, применяли крупномасштабную гуманизацию с помощью методов рекомбинационной инженерии. Сегмент генома человека размером до половины мегабазы, содержащий один из двух повторов, кодирующих практически все генные сегменты V_K и J_K человека, использовали для замены сегмента локуса к легкой цепи иммуноглобулина мыши размером три мегабазы, содержащего практически все генные сегменты V_K и J_K мыши.

[000247] У мышей с такими замещенными иммуноглобулиновыми локусами может быть разрушен или удален эндогенный локус ADAM6 мыши, в норме обнаруживаемый между крайним с 3'-стороны V_H генным сегментом и крайним с 5'-конца D_H генным сегментом в указанном локусе тяжелой цепи иммуноглобулина мыши. Разрушение этой области может приводить к снижению или полному подавлению функциональности эндогенного локуса ADAM6 мыши. В случае, если при замене используют крайние с 3'-стороны генные сегменты V_H репертуара тяжелых цепей человека, межгенная область,

содержащая псевдоген, по-видимому, представляющий собой псевдоген ADAM6 человека, располагается между указанными генными сегментами V_H , т.е. между V_H1-2 и V_H1-6 человека. Как бы то ни было, у мышей-самцов, у которых присутствует указанная межгенная последовательность человека, наблюдается снижение 5 фертильности.

[000248] Описаны мыши, у которых имеются замещенные локусы согласно приведенному выше описанию, а также эктопическая последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующая ADAM6 мыши, причем у указанных мышей наблюдается практически нормальная фертильность. Согласно одному из вариантов реализации 10 указанная эктопическая последовательность нуклеиновой кислоты содержит последовательность ADAM α мыши и/или ADAM β мыши, либо его/их функциональные фрагменты, расположенные между V_H1-2 человека и V_H6-1 человека в 15 модифицированном эндогенном локусе тяжелой цепи. Согласно одному из вариантов реализации указанная эктопическая последовательность нуклеиновой кислоты представляет собой последовательность SEQ ID NO:3, расположенную между V_H1-2 человека и V_H6-1 человека в модифицированном эндогенном локусе тяжелой цепи.

Направление транскрипции гена ADAM6 в последовательности SEQ ID NO:3 противоположно направлению транскрипции окружающих генных сегментов V_H 20 человека. Хотя в настоящей заявке приведены примеры восстановления фертильности путем размещения эктопической последовательности между указанными генными сегментами V_H человека, специалистам будет ясно, что размещение указанной 25 эктопической последовательности в любом подходящем транскрикционно-пермиссивном локусе в геноме мыши (либо даже экстрахромосомно) предположительно будет сходным образом восстанавливать фертильность у мышей-самцов.

[000249] Процесс добавления мыши, у которой отсутствует функциональный ADAM6 локус, эктопической последовательности, которая содержит ген ADAM6 мыши, либо его ортолог, гомолог или функциональный фрагмент, представляет собой стандартный способ, применяемый для компенсации нефункциональности или минимальной 30 функциональности эндогенных локусов ADAM6 у любых мышей. Соответственно, у значительного числа мышей, у которых присутствует разрушающая ADAM6 модификация локуса тяжелой цепи иммуноглобулина, это может компенсировано с помощью применения композиций и способов согласно настоящему изобретению. Соответственно, в настоящем изобретении предложены мыши с широким спектром 35 модификаций локусов тяжелой цепи иммуноглобулина, негативно сказывающихся на функции эндогенного ADAM6. Некоторые (неограничивающие) примеры приведены в настоящем описании. Помимо описываемых мышей VELOCIMMUNE®, композиции и способы, связанные с ADAM6, могут иметь множество применений, например, при 40 модификации разнообразными способами локуса тяжелой цепи.

[000250] Согласно одному из аспектов предложена мышь, у которой присутствует эктопическая последовательность ADAM6, кодирующая функциональный белок ADAM6 (или его ортолог, гомолог или функциональный фрагмент); все или практически все генные сегменты V_H мыши заменены одним или более генными сегментами V_H человека; 45 все или практически все генные сегменты D_H и генные сегменты J_H мыши заменены на генные сегменты D_H человека и J_H человека; при этом у указанной мыши отсутствует область C_H1 и/или область шарнира. Согласно одному из вариантов реализации указанная мышь продуцирует связывающий белок с одним вариабельным доменом,

представляющий собой димер цепей иммуноглобулина, выбранных из: (а) V_H человека -C_{H1} мыши -C_{H2} мыши -C_{H3} мыши; (б) V_H человека - шарнир мыши -C_{H2} мыши -C_{H3} мыши; и (с) V_H человека -C_{H2} мыши -C_{H3} мыши.

[000251] Согласно одному из аспектов последовательность нуклеотидов, восстанавливающая fertильность, располагают в пределах последовательности вариабельной области тяжелой цепи иммуноглобулина человека (например, между генными сегментами человека V_{H1-2} и V_{H1-6}) у мыши, у которой присутствует замена одного или более генных сегментов вариабельной области тяжелой цепи иммуноглобулина мыши (mV_H, mD_H и/или mJ_H) одним или более генными сегментами вариабельной области тяжелой цепи иммуноглобулина человека (hV_H, hD_H и/или hJ_H), и у указанной мыши также присутствует замена одного или более генных сегментов вариабельной области легкой цепи к иммуноглобулина мыши (mV_K и/или mJ_K) одним или более генными сегментами вариабельной области легкой цепи к иммуноглобулина человека (hV_K и/или hJ_K).

[000252] Согласно одному из вариантов реализации указанные один или более вариабельные генные сегменты тяжелой цепи иммуноглобулина мыши содержат приблизительно три мегабазы локуса тяжелой цепи иммуноглобулина мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанные один или более вариабельные генные сегменты тяжелой цепи иммуноглобулина мыши содержат по меньшей мере 89 генных сегментов V_H, по меньшей мере 13 генных сегментов D_H, по меньшей мере четыре генных сегмента J_H или комбинацию указанных сегментов локуса тяжелой цепи иммуноглобулина мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанный один или более вариабельные генные сегменты тяжелой цепи иммуноглобулина человека содержат приблизительно одну мегабазу локуса тяжелой цепи иммуноглобулина человека. Согласно одному из вариантов реализации указанные один или более вариабельные генные сегменты тяжелой цепи иммуноглобулина человека содержат по меньшей мере 80 генных сегментов V_H, по меньшей мере 27 генных сегментов D_H, по меньшей мере шесть генных сегментов J_H или комбинацию таковых локуса тяжелой цепи иммуноглобулина человека.

[000253] Согласно одному из вариантов реализации указанные один или более вариабельные генные сегменты легкой цепи к иммуноглобулина мыши содержат приблизительно три мегабазы локуса к легкой цепи иммуноглобулина мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанные один или более вариабельные генные сегменты легкой цепи киммуноглобулина мыши содержат по меньшей мере 137 генных сегментов V_K, по меньшей мере пять генных сегментов J_K или комбинацию таковых локуса к легкой цепи иммуноглобулина мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанные один или более вариабельные генные сегменты легкой цепи к иммуноглобулина человека содержат приблизительно 1/2 мегабазы локус легкой цепи к иммуноглобулина человека. Согласно конкретному варианту реализации указанные один или более вариабельные генные сегменты легкой цепи к иммуноглобулина человека содержат проксимальные повторы (относительно константной области к иммуноглобулина) локуса легкой цепи к иммуноглобулина человека. Согласно одному из вариантов реализации указанный один или более вариабельный генный сегмент легкой цепи к иммуноглобулина человека содержит по меньшей мере 40 генных сегментов V_K, по меньшей мере пять генных сегментов J_K, или комбинацию указанных сегментов локуса легкой цепи к иммуноглобулина человека.

[000254] Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность нуклеотидов расположена между двумя сегментами гена иммуноглобулина человека. Согласно конкретному варианту реализации указанные два сегмента гена иммуноглобулина человека представляют собой генные сегменты тяжелой цепи.

5 Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность нуклеотидов расположена между генными сегментами V_H 1-2 человека и генными сегментами V_H 1-6 человека у мыши VELOCIMMUNE® (US 6596541 и US 7105348, включенные в настоящую заявку посредством ссылки). Согласно одному из вариантов реализации у мыши VELOCIMMUNE®, модифицированной таким образом, вариабельные генные сегменты 10 тяжелой цепи иммуноглобулина мыши заменены на по меньшей мере 80 генных сегментов V_H человека, 27 генных сегментов D_H человека и шесть генных сегментов J_H человека, и вариабельные генные сегменты к легкой цепи иммуноглобулина мыши заменены на по меньшей мере 40 генных сегментов V_K человека и пять генных сегментов J_K человека.

15 [000255] Согласно одному из аспектов функциональный локус ADAM6 мыши (или его ортолог, гомолог или функциональный фрагмент) расположен среди генных сегментов V_H человека, замещающих эндогенные генные сегменты V_H мыши. Согласно одному из вариантов реализации по меньшей мере 89 генных сегментов V_H мыши

20 удаляют и заменяют одним или более генными сегментами V_H человека, и локус ADAM6 мыши непосредственно примыкает к 3'-концу указанных генных сегментов V_H человека, либо находится между двумя генными сегментами V_H человека. Согласно конкретному варианту реализации локус ADAM6 мыши находится между двумя генными сегментами 25 V_H в пределах приблизительно от 20 тыс.нуклеотидов (т.н.) до приблизительно 40 тыс.нуклеотидов (т.н.) от 3'-конца встроенных генных сегментов V_H человека. Согласно конкретному варианту реализации локус ADAM6 мыши находится между двумя генными сегментами V_H в пределах приблизительно от 29 т.н. до приблизительно 31 т.н. от 3'-конца встроенных генных сегментов V_H человека. Согласно конкретному варианту реализации локус ADAM6 мыши находится в пределах приблизительно от 30 т.н. от 3'-конца встроенных генных сегментов V_H человека. Согласно конкретному варианту реализации локус ADAM6 мыши находится в пределах приблизительно 30 184 п.о. от 3'-конца встроенных генных сегментов V_H человека. Согласно конкретному варианту

30 реализации замена включает генные сегменты V_HV_H 1-2 и V_H 6-1 человека, и локус ADAM6 мыши находится в 3'-направлении от генного сегмента V_H 1-2 и в 5'-направлении от генного сегмента V_H 6-1. Согласно конкретному варианту реализации локус ADAM6 мыши находится между генным сегментом V_H 1-2 человека и генным сегментом V_H 6-1

35 человека, при этом 5'-конец локуса ADAM6 мыши располагается приблизительно на расстоянии 13848 п.о. от 3'-конца генного сегмента V_H 1-2 человека, и 3'-конец локуса ADAM6 располагается приблизительно на расстоянии 29737 п.о. в 5' направлении от генного сегмента V_H 6-1 человека. Согласно конкретному варианту реализации локус ADAM6 мыши содержит SEQ ID NO:3 или ее фрагмент, обеспечивающий функцию 40 ADAM6 в клетках мыши. Согласно конкретному варианту реализации генные сегменты V_H человека в этом случае расположены следующим образом (от 5'-стороны до 3'-стороны относительно направления транскрипции генных сегментов человека V_H): V_H

1-2 человека - локус ADAM6 мыши - V_H 6-1 человека. Согласно конкретному варианту реализации псевдоген ADAM6 между V_H 1-2 человека и V_H 6-1 человека заменяют локусом ADAM6 мыши. Согласно одному из вариантов реализации ориентация одного или более из ADAM6а мыши и ADAM6б мыши локуса ADAM6 мыши противоположна в отношении 5 направления транскрипции ориентации генных сегментов V_H человека. Как вариант, локус ADAM6 мыши находится в межгенной области между крайним с 3'-стороны генным сегментом V_H человека и крайним с 5'-конца генным сегментом D_H . В этом случае указанный крайний с 5'-конца D_H сегмент может быть либо мышным, либо 10 человеческим.

[000256] Сходным образом, мышь, модифицированная одним или более генными сегментами V_L человека (например, сегментами V_k или V_λ), замещающими все или практически все эндогенные генные сегменты V_H мыши, может быть модифицирована таким образом, что эндогенный локус ADAM6 мыши либо сохраняется согласно 15 приведенному выше описанию, например, с помощью применения направленного вектора с 3'-плечом гомологии, включающим локус ADAM6 мыши или его функциональный фрагмент, или поврежденный локус ADAM6 мыши заменяется эктопической последовательностью, расположенной между двумя генными сегментами V_L человека или между генными сегментами V_L человека и генным сегментом D_H 20 (человека или мыши, например, $V_\lambda+m/hD_H$), или генным сегментом J (человека или мыши, например, V_k+J_H). Согласно одному из вариантов реализации указанная замена включает два или более генных сегментов V_L человека, и локус ADAM6 мыши или его 25 функциональный фрагмент находится между двумя крайними с 3'-стороны генными сегментами V_L . Согласно конкретному варианту реализации генные сегменты V_L человека в этом случае расположены следующим образом (от 5' до 3' относительно направления транскрипции генных сегментов человека): V_L 3'-1 человека - локус ADAM6 мыши - V_L 3' человека. Согласно одному из вариантов реализации ориентация одного 30 или более из ADAM6а мыши и ADAM6б мыши локуса ADAM6 мыши противоположна в отношении направления транскрипции ориентации генных сегментов V_L человека. Как вариант, локус ADAM6 мыши находится в межгенной области между крайним с 3'-стороны генным сегментом V_L человека и крайним с 5'-конца генным сегментом D_H . 35 В этом случае указанный крайний с 5'-конца D_H сегмент может представлять собой мышный или человеческий.

[000257] Согласно одному из аспектов предложена мышь с заменой одного или более эндогенных генных сегментов V_H мыши, и содержащая по меньшей мере один эндогенный генный сегмент D_H мыши. У такой мыши модификация эндогенных генных 40 сегментов V_H мыши может включать модификацию одного или более крайних с 3'-стороны генных сегментов V_H , но не крайнего с 5'-конца D_H генного сегмента, при этом принимаются меры, направленные на то, чтобы указанная модификация одного или более крайнего с 3'-стороны генного сегмента V_H не разрушила или не привела к 45 нефункциональности эндогенного локуса ADAM6 мыши. Например, согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши заменены все или практически все эндогенные генные сегменты V_H мыши одним или более генными сегментами V_H человека, и указанная мышь содержит один или более эндогенные генные сегменты

D_H и функциональный эндогенный локус ADAM6 мыши.

[000258] Согласно другому варианту реализации у указанной мыши модифицированы эндогенные краиние с 3'-стороны генные сегменты мыши V_H, и один или более

5 эндогенные генные сегменты Он мыши, и указанную модификацию осуществляют таким образом, чтобы сохранить целостность указанного эндогенного локуса ADAM6 мыши в степени, достаточной для поддержания функциональности эндогенного локуса ADAM6. Согласно одному из примеров такую модификацию осуществляют за два

10 этапа: (1) заменяют краиние с 3'-стороны эндогенные генные сегменты V_H мыши одним или более генными сегментами V_H человека с применением направленного вектора с

5'-плечом гомологии и 3'-плечом гомологии, причем указанное 3'-плечо гомологии включает полностью или частично функциональный локус ADAM6 мыши; (2) затем

15 заменяют и эндогенный генный сегмент D_H мыши с помощью направленного вектора, содержащего 5'-плечо гомологии, включающее весь локус или функциональную часть локуса ADAM6 мыши.

[000259] Согласно различным аспектам применение мыши, у которой присутствует эктопическая последовательность, кодирующая белок ADAM6 мыши, либо его ортолог, гомолог или функциональный гомолог, целесообразно в тех случаях, когда введение модификаций нарушает функционирование эндогенного ADAM6 мыши. Вероятность

20 разрушения эндогенной функции ADAM6 мыши высока при модификации локусов иммуноглобулина мыши, в частности, при модифицировании последовательностей вариабельных областей тяжелых цепей иммуноглобулина мыши и окружающих областей. Соответственно, применение таких мышей особенно целесообразно при получении

25 мышей с локусами тяжелых цепей иммуноглобулина, удаленными полностью или частично, гуманизированными полностью или частично, или замещенными (например, последовательностями V_k или V_λ) полностью или частично. Способы получения указанных генетических модификаций у мышей, описываемых ниже, известны специалистам в данной области техники.

[000260] Применение мышей, у которых присутствует эктопическая

30 последовательность, кодирующая мышний белок ADAM6, или практически идентичный или сходный белок, обладающий благоприятными для fertильности свойствами мышного белка ADAM6, особенно целесообразно в сочетании с модификациями локуса вариабельных генов тяжелой цепи иммуноглобулина мыши, разрушающими или удаляющими эндогенную последовательность ADAM6 мыши. Несмотря на то, что

35 такие мыши в первую очередь описаны в контексте экспрессирования ими антител с вариабельными областями иммуноглобулинов человека и константными областями иммуноглобулинов мыши, они подходят для применения при любых генетических модификациях, разрушающих эндогенные гены ADAM6 мыши. Специалистам будет ясно, что сюда включен широкий спектр генетически модифицированных мышей, у

40 которых имеются модификации вариабельных генных локусов тяжелой цепи иммуноглобулина мыши. Сюда включены, например, мыши, у которых удалены или заменены полностью или частично генные сегменты тяжелой цепи иммуноглобулина мыши, независимо от других модификаций. Неограничивающие примеры приведены ниже.

45 [000261] Согласно некоторым аспектам предложены генетически модифицированные мыши, у которых присутствует эктопический ген ADAM6 (или ортолог, гомолог или фрагмент) мыши, грызуна или др., функциональный у мыши, и один или более генных сегментов вариабельной и/или константной области иммуноглобулина человека.

Согласно различным вариантам реализации другие ортологи, гомологи или фрагменты гена ADAM6, функциональные у мыши, могут включать последовательности крупного рогатого скота, собачьих, приматов, кролика, или другие последовательности не происходящие от человека.

⁵ [000262] Согласно одному из аспектов предложена мышь, у которой присутствует эктопическая последовательность ADAM6, кодирующая функциональный белок ADAM6; все или практически все генные сегменты V_H мыши заменены одним или более генными сегментами V_H человека; все или практически все генные сегменты D_H мыши заменены ¹⁰ одним или более генными сегментами D_H человека; и все или практически все генные сегменты J_H мыши заменены одним или более генными сегментами J_H человека.

[000263] Согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши также присутствует замена последовательности нуклеотидов C_H1 мыши нуклеотидной последовательностью C_H1 человека. Согласно одному из вариантов реализации ¹⁵ у указанной мыши также присутствует замена последовательности нуклеотидов шарнирной области иммуноглобулина мыши нуклеотидной последовательностью шарнирной области иммуноглобулина человека. Согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши также присутствует замена локуса вариабельной области легкой цепи иммуноглобулина (V_L и J_L) на локус вариабельной области легкой цепи ²⁰ иммуноглобулина человека. Согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши также присутствует замена последовательности нуклеотидов константной области легкой цепи иммуноглобулина мыши последовательностью нуклеотидов константной области легкой цепи иммуноглобулина человека. Согласно конкретному варианту ²⁵ реализации указанные V_L , J_L , и C_L представляют собой последовательности к легкой цепи иммуноглобулина. Согласно конкретному варианту реализации указанная мышь содержит последовательности C_H2 мыши и C_H3 мыши константной области иммуноглобулина, слитые с последовательностями шарнира человека и C_H1 человека, так что локусы иммуноглобулина мыши реаранжируются с образованием гена, ³⁰ кодирующего связывающий белок, включая (а) тяжелую цепь с вариабельной областью человека, C_H1 областью человека, шарнирной областью человека, и областью C_H2 мыши и C_H3 мыши; и (б) ген, кодирующий легкую цепь иммуноглобулина, которая содержит вариабельный домен человека и константную область человека.

[000264] Согласно одному из аспектов предложена мышь, у которой присутствует эктопическая последовательность ADAM6, кодирующая функциональный белок ADAM6; все или практически все генные сегменты V_H мыши заменены одним или более генными сегментами человека V_L , и все или практически все генные сегменты D_H и/или генные сегменты J_H необязательно заменены одним или более генными сегментами D_H человека ⁴⁰ и/или генными сегментами J_H человека, или все или практически все генные сегменты D_H и генные сегменты J_H необязательно заменены одним или более генными сегментами J_L человека.

[000265] Согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши заменены ⁴⁵ все или практически все генные сегменты V_H , D_H и J_H мыши одним или более генными сегментами V_L , одним или более генными сегментами D_H , и одним или более генными сегментами J (например, J_k или J_λ), причем указанные генные сегменты функционально связаны с эндогенной областью шарнира мыши, при этом у указанной мыши образуется

реаранжированный ген цепи иммуноглобулина, содержащий, от 5' к 3', в направлении транскрипции, V_L человека - D_H человека или мыши - J человека или мыши - шарнир мыши - C_{H2} мыши - C_{H3} мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанная область J представляет собой J_K область иммуноглобулина человека. Согласно одному из вариантов реализации указанная область J представляет собой J_H область иммуноглобулина человека. Согласно одному из вариантов реализации указанная область J представляет собой J_λ область иммуноглобулина человека. Согласно одному из вариантов реализации указанная V_L область человека выбрана из V_λ области иммуноглобулина человека и V_K области иммуноглобулина человека.

[000266] Согласно конкретным вариантам реализации мышь экспрессирует антитело с одним вариабельным доменом, содержащее константную область иммуноглобулина мыши или человека и вариабельную область, полученную из V_K человека, D_H человека и J_K человека; V_K человека, D_H человека, J_H человека; V_λ человека, D_H человека, J_λ человека; V_λ человека, D_H человека, J_H человека; V_K человека, D_H человека и J_λ человека; человека V_λ , человека D_H и J_K человека. Согласно конкретному варианту реализации последовательности распознавания рекомбинации модифицируют таким образом, чтобы обеспечить продуктивная реаранжировка между перечисленными генными 20 сегментами V , D и J или между перечисленными генными сегментами V и J .

[000267] Согласно одному из аспектов предложена мышь, у которой присутствует эктопическая последовательность ADAM6, кодирующая функциональный белок ADAM6 (или его ортолог, гомолог или функциональный фрагмент), у которой заменены все или практически все генные сегменты V_H мыши одним или более генными сегментами 25 V_L человека, заменены все или практически все генные сегменты D_H и генные сегменты J_H мыши на генные сегменты J_L человека; при этом у указанной мыши отсутствует область C_{H1} и/или шарнирная область.

[000268] Согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши отсутствует 30 последовательность, кодирующая домен C_{H1} . Согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши отсутствует последовательность, кодирующая область шарнира. Согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши отсутствует последовательность, кодирующая C_{H1} домен и область шарнира.

[000269] Согласно конкретному варианту реализации указанная мышь экспрессирует 35 связывающий белок, который содержит вариабельный домен легкой цепи иммуноглобулина человека (λ или κ), слитый с доменом C_{H2} мыши, присоединенным к домену C_{H3} мыши.

[000270] Согласно одному из аспектов предложена мышь, у которой присутствует 40 эктопическая последовательность ADAM6, кодирующая функциональный белок ADAM6 (или его ортолог, гомолог или функциональный фрагмент); все или практически все генные сегменты V_H мыши заменены одним или более генными сегментами V_L человека; все или практически все генные сегменты D_H и J_H мыши заменены генными сегментами J_L человека.

[000271] Согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши удалена 45 последовательность гена константной области тяжелой цепи иммуноглобулина, кодирующая C_{H1} область, область шарнира, C_{H1} и шарнирную область, или C_{H1} область, область шарнира и C_{H2} область.

[000272] Согласно одному из вариантов реализации указанная мышь продуцирует связывающий белок с одним вариабельным доменом, содержащий гомодимер, выбранный из следующих: (а) V_L человека - C_H1 мыши - C_H2 мыши - C_H3 мыши; (б) V_L человека - шарнирная область мыши - C_H2 мыши - C_H3 мыши; (в) V_L человека - C_H2 мыши - C_H3 мыши.

[000273] Согласно одному из аспектов предложена мышь с инактивированным эндогенным локусом тяжелой цепи иммуноглобулина, с инактивированным или удаленным эндогенным локусом ADAM6 мыши, при этом указанная мышь содержит последовательность нуклеиновой кислоты, экспрессирующую гибридное антитело человека, или мыши, или человека/мыши, или др. Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность нуклеиновой кислоты находится на встроенным трансгене, который случайным образом встроен в геном мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность нуклеиновой кислоты расположена на эпизоме (например, хромосоме), отсутствующей у мыши дикого типа.

[000274] Согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши также присутствует деактивированный эндогенный локус легкой цепи иммуноглобулина. Согласно конкретному варианту реализации указанный эндогенный локус легкой цепи иммуноглобулина выбран из локусов каппа- (κ) и лямбда- (λ) легких цепей. Согласно конкретному варианту реализации указанная мышь содержит деактивированный эндогенный локус легкой цепи κ и деактивированный локус легкой цепи λ, при этом указанная мышь экспрессирует антитело, которое содержит вариабельный домен тяжелой цепи иммуноглобулина человека и домен легкой цепи иммуноглобулина человека. Согласно одному из вариантов реализации указанный домен легкой цепи иммуноглобулина человека выбран из домена κ легкой цепи человека и домена λ легкой цепи человека.

[000275] Согласно одному из аспектов предложено генетически модифицированное животное, экспрессирующее гибридное антитело и экспрессирующее белок ADAM6 или его ортолог или гомолог, функциональный у указанного генетически модифицированного животного.

[000276] Согласно одному из вариантов реализации указанное генетически модифицированное животное выбрано из мыши и крысы. Согласно одному из вариантов реализации указанное генетически модифицированное животное представляет собой мышь, а белок ADAM6 или его ортолог или гомолог взят от линии мышей, отличной от линии указанного генетически модифицированного животного. Согласно одному из вариантов реализации указанное генетически модифицированное животное представляет собой грызуна семейства Cricetidae (например, хомяка, американскую крысу или мышь, полевку), а указанный ортолог или гомолог белка ADAM6 взят от грызуна семейства Muridae (например, истинной мыши или крысы, песчанки, иглистой мыши, косматого хомяка). Согласно одному из вариантов реализации генетически модифицированное животное представляет собой грызуна семейства Muridae, а ортолог или гомолог белка ADAM6 взят от грызуна семейства Cricetidae.

[000277] Согласно одному из вариантов реализации указанное гибридное антитело содержит вариабельный домен человека и последовательность константной области грызуна. Согласно одному из вариантов реализации указанный грызун выбран из грызуна семейства Cricetidae и грызуна семейства Muridae. Согласно конкретному варианту реализации указанный грызун семейства Cricetidae и семейства Muridae представляет собой мышь. Согласно конкретному варианту реализации указанный

грызун семейства Cricetidae и семейства Muridae представляет собой крысу. Согласно одному из вариантов реализации указанное гибридное антитело содержит вариабельный домен человека и константный домен животного, выбранного из мыши или крысы; согласно конкретному варианту реализации указанная мышь или крыса выбрана из

- 5 семейства Cricetidae и семейства Muridae. Согласно одному из вариантов реализации указанное гибридное антитело содержит вариабельный домен тяжелой цепи человека, вариабельный домен легкой цепи человека и последовательность константной области, полученную от грызуна, выбранного из мыши и крысы, при этом указанные вариабельный домен тяжелой цепи человека и легкая цепь человека когнатны. Согласно
10 конкретному варианту реализации в «когнатные» включены вариабельные домены тяжелой цепи человека и легкой цепи человека, полученные из одной В-клетки, которая экспрессирует указанные вариабельный домен легкой цепи человека и вариабельный домен тяжелой цепи человека вместе и презентирует указанные вариабельные домены вместе на поверхности индивидуальной В-клетки.

- 15 [000278] Согласно одному из вариантов реализации гибридное антитело экспрессируется из иммуноглобулинового локуса. Согласно одному из вариантов реализации вариабельный домен тяжелой цепи гибридного антитела экспрессируется из реаранжированного эндогенного локуса тяжелой цепи иммуноглобулина. Согласно одному из вариантов реализации вариабельный домен легкой цепи гибридного антитела
20 экспрессируется из реаранжированного эндогенного локуса легкой цепи иммуноглобулина. Согласно одному из вариантов реализации вариабельный домен тяжелой цепи гибридного антитела и/или вариабельный домен легкой цепи гибридного антитела экспрессируется из реаранжированного трансгена (например, реаранжированной последовательности нуклеиновой кислоты, полученной из
25 переаранжированной последовательности нуклеиновой кислоты, встроенной в геном животного в локусе, отличном от эндогенного локуса иммуноглобулина). Согласно одному из вариантов реализации вариабельный домен легкой цепи гибридного антитела экспрессируется из реаранжированного трансгена (например, реаранжированной последовательности нуклеиновой кислоты, полученной из нереаранжированной
30 последовательности нуклеиновой кислоты, встроенной в геном животного в локусе, отличном от эндогенного локуса иммуноглобулина).

[000279] Согласно конкретному варианту реализации трансген экспрессируется из транскрипционно активного локуса, например, локуса ROSA26, например, локуса ROSA26 мышиных (например, мыши).

- 35 [000280] Согласно одному из аспектов предложено не являющееся человеком животное, у которого присутствует локус тяжелой цепи гуманизированного иммуноглобулина, при этом указанный локус тяжелой цепи гуманизированного иммуноглобулина содержит последовательность ADAM6 не происходящая от человека или ее ортолог или гомолог.

- 40 [000281] Согласно одному из вариантов реализации указанное не являющееся человеком животное представляет собой грызуна, выбранного из мыши, крысы и хомяка.

- [000282] Согласно одному из вариантов реализации указанный ортолог или гомолог ADAM6 не происходящий от человека представляет собой последовательность, 45 ортологичную и/или гомологичную последовательности ADAM6 мыши, при этом указанный ортолог или гомолог функционален у указанного не являющегося человеком животного.

[000283] Согласно одному из вариантов реализации указанное не являющееся

человеком животное выбрано из мыши, крысы и хомяка, а указанный ортолог или гомолог ADAM6 взят от не являющегося человеком животного, выбранного из мыши, крысы и хомяка. Согласно конкретному варианту реализации указанное не являющееся

человеком животное представляет собой мышь, и ортолог или гомолог ADAM6 взят

- 5 от животного, выбранного из другого вида мыши, крысы и хомяка. Согласно конкретному варианту реализации указанное не являющееся человеком животное представляет собой крысу, и ортолог или гомолог ADAM6 взят от грызуна, выбранного из другого вида крыс, мыши и хомяка. Согласно конкретному варианту реализации указанное не являющееся человеком животное представляет собой хомяка, и ортолог

10 или гомолог ADAM6 взят от грызуна, выбранного из другого вида хомяка, мыши и крысы.

[000284] Согласно конкретному варианту реализации указанное не являющееся человеком животное относится к подотряду Myomorpha, и последовательность ADAM6 взята от животного, выбранного из грызуна надсемейства Dipodoidea и грызуна

- 15 надсемейства Muroidea. Согласно конкретному варианту реализации грызун представляет собой мышь надсемейства Muroidea, и ортолог или гомолог ADAM6 взят от мыши, или крысы, или хомяка надсемейства Muroidea.

[000285] Согласно одному из вариантов реализации указанный гуманизированный локус тяжелой цепи содержит один или более генных сегментов V_H человека, один или

20 более генных сегментов D_H человека и один или более генных сегментов J_H человека.

Согласно конкретному варианту реализации указанный(е) один или более генных сегментов V_H человека, один или более генных сегментов D_H человека и один или более генных сегментов J_H человека функционально связаны с одним или более генами

25 константной области человека, гибридными генами константной области и/или генами константной области грызуна (например, мыши или крысы). Согласно одному из вариантов реализации указанные гены константной области являются генами мыши. Согласно одному из вариантов реализации указанные гены константной области являются генами крысы. Согласно одному из вариантов реализации указанные гены

30 константной области являются генами хомяка. Согласно одному из вариантов реализации указанные гены константной области включают последовательность, выбранную из шарнира, C_H2 , C_H3 и их комбинации. Согласно конкретному варианту реализации указанные гены константной области включают последовательность шарнира, C_H2 и C_H3 .

35 [000286] Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность ADAM6 не происходящего от человека смежна с последовательностью тяжелой цепи иммуноглобулина человека. Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность ADAM6 не происходящая от человека находится в последовательности тяжелой цепи иммуноглобулина человека. Согласно конкретному варианту реализации указанная последовательность тяжелой цепи иммуноглобулина человека содержит генный сегмент V , D и/или J .

40 [000287] Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность ADAM6 не происходящая от человека расположена между двумя генными сегментами V . Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность ADAM6 не происходящая от человека соединяет генные сегменты V и D . Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность ADAM6 мыши расположена между генными сегментами V и J . Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность ADAM6 мыши соединяет генные сегменты D и J .

[000288] Согласно одному из аспектов предложено генетически модифицированное отличное от человека животное, содержащее В-клетку, экспрессирующую домен V_H иммуноглобулина человека, когнатный домену V_L человека из иммуноглобулинового локуса, при этом указанное не являющееся человеком животное экспрессирует не-иммуноглобулиновый белок не происходящий от человека из иммуноглобулинового локуса. Согласно одному из вариантов реализации указанный не-иммуноглобулиновый белок отличного от человека животного представляет собой белок ADAM. Согласно конкретному варианту реализации белок ADAM представляет собой белок ADAM6, либо его гомолог, ортолог или функциональный фрагмент.

[000289] Согласно одному из вариантов реализации указанное не являющееся человеком животное представляет собой грызуна (например, мышь или крысы). Согласно одному из вариантов реализации указанный грызун принадлежит семейству Muridae. Согласно одному из вариантов реализации указанный грызун принадлежит подсемейству Murinae. Согласно конкретному варианту реализации указанный грызун подсемейства Murinae выбран из мыши и крысы.

[000290] Согласно одному из вариантов реализации указанный отличный от иммуноглобулина белок не происходящий от человека представляет собой белок грызуна. Согласно одному из вариантов реализации указанный грызун принадлежит семейству Muridae. Согласно одному из вариантов реализации указанный грызун принадлежит подсемейству Murinae. Согласно конкретному варианту реализации указанный грызун выбран из мыши, крысы и хомяка.

[000291] Согласно одному из вариантов реализации указанные V_H и V_L домены человека присоединены непосредственно или с помощью линкера к последовательности константного домена иммуноглобулина. Согласно конкретному варианту реализации указанная последовательность константного домена содержит последовательность, выбранную из шарнира, C_H2 , C_H3 и их комбинации. Согласно конкретному варианту реализации указанный домен V_L человека выбран из домена V_k или V_{λ} .

[000292] Согласно одному из аспектов предложено генетически модифицированные не являющееся человеком животное, в зародышевой линии которого присутствует последовательность иммуноглобулина человека, при этом сперма самца указанного не являющегося человеком животного характеризуется дефектом подвижности *in vivo*. Согласно одному из вариантов реализации указанный дефект подвижности *in vivo* включает неспособность спермы указанного самца не являющегося человеком животного перемещаться из матки через маточные трубы самки не являющегося человеком животного того же вида. Согласно одному из вариантов реализации у указанного не являющегося человеком животного отсутствует последовательность нуклеотидов, кодирующая белок ADAM6 или его функциональный фрагмент. Согласно конкретному варианту реализации указанный белок ADAM6 или его функциональный фрагмент включает белок ADAM6a и/или ADAM6b белок или их функциональный фрагмент. Согласно одному из вариантов реализации указанное не являющееся человеком животное представляет собой грызуна. Согласно конкретному варианту реализации указанный грызун выбран из мыши, крысы и хомяка.

[000293] Согласно одному из аспектов предложено не являющееся человеком животное, у которого присутствует последовательность иммуноглобулина человека, смежная с последовательностью не происходящей от человека, кодирующей белок ADAM6, либо его ортолог, гомолог или функциональный фрагмент. Согласно одному из вариантов реализации указанное не являющееся человеком животное представляет

собой грызуна. Согласно конкретному варианту реализации указанный грызун выбран из мыши, крысы и хомяка.

[000294] Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность иммуноглобулина человека представляет собой последовательность тяжелой цепи

5 иммуноглобулина. Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность иммуноглобулина содержит один или более генных сегментов V_H .

Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность иммуноглобулина человека содержит один или более генных сегментов D_H . Согласно

10 одному из вариантов реализации указанная последовательность иммуноглобулина человека содержит один или более генных сегментов J_H . Согласно одному из вариантов

реализации указанная последовательность иммуноглобулина человека содержит один или более генных сегментов V_H , один или более генных сегментов D_H и один или более

генных сегментов J_H .

15 [000295] Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность иммуноглобулина содержит один или более генных сегментов V_H , встречающийся с высокой частотой в природных репертуарах человека. Согласно конкретному варианту реализации указанный один или более генных сегментов V_H включают не более чем

20 два генных сегмента V_H , не более чем три генных сегмента V_H , не более чем четыре генных сегмента V_H , не более чем пять генных сегментов V_H , не более чем шесть генных

сегментов V_H , не более чем семь генных сегментов V_H , не более чем восемь генных сегментов V_H , не более чем девять генных сегментов V_H , не более чем 10 генных

25 сегментов V_H , не более чем 11 генных сегментов V_H , не более чем 12 генных сегментов V_H , не более чем 13 генных сегментов V_H , не более чем 14 генных сегментов V_H , не

более чем 15 генных сегментов V_H , не более чем 16, генных сегментов V_H , не более чем 17 генных сегментов V_H , не более чем 18 генных сегментов V_H , не более чем 19 генных

30 сегментов V_H , не более чем 20 генных сегментов V_H , не более чем 21 генный сегмент V_H , не более чем 22 генных сегмента V_H или не более чем 23 генных сегмента V_H .

[000296] Согласно конкретному варианту реализации указанные один или более генных сегментов V_H включают пять генных сегментов V_H . Согласно конкретному варианту реализации указанные один или более генных сегментов V_H включают 10

35 генных сегментов V_H . Согласно конкретному варианту реализации указанные один или более генных сегментов V_H включают 15 генных сегментов V_H . Согласно

конкретному варианту реализации указанные один или более генных сегментов V_H включают 20 генных сегментов V_H .

40 [000297] Согласно различным вариантам реализации указанные генные сегменты V_H выбраны из V_H6-1 , V_H1-2 , V_H1-3 , V_H2-5 , V_H3-7 , V_H1-8 , V_H3-9 , V_H3-11 , V_H3-13 , V_H3-

15, V_H3-16 , V_H1-18 , V_H3-20 , V_H3-21 , V_H3-23 , V_H1-24 , V_H2-26 , V_H4-28 , V_H3-30 , V_H4-31 , V_H

3-33, V_H4-34 , V_H3-35 , V_H3-38 , V_H4-39 , V_H3-43 , V_H1-45 , V_H1-46 , V_H3-48 , V_H3-49 , V_H5-51 ,

45 V_H3-53 , V_H1-58 , V_H4-59 , V_H4-61 , V_H3-64 , V_H3-66 , V_H1-69 , V_H2-70 , V_H3-72 , V_H3-73 и V_H

3-74.

[000298] Согласно различным вариантам реализации указанные генные сегменты V_H выбраны из V_H1-2 , V_H1-8 , V_H1-18 , V_H1-46 , V_H1-69 , V_H3-7 , V_H3-9 , V_H3-11 , V_H3-13 , V_H

3-15, V_H 3-21, V_H 3-23, V_H 3-30, V_H 3-33, V_H 3-43, V_H 3-48, V_H 4-31, V_H 4-34, V_H 4-39, V_H 4-59, V_H 5-51 и V_H 6-1.

[000299] Согласно различным вариантам реализации указанные генные сегменты V_H выбраны из V_H 1-18, V_H 1-46, V_H 1-69, V_H 3-7, V_H 3-11, V_H 3-15, V_H 3-21, V_H 3-23, V_H 3-30, V_H 3-33, V_H 3-48, V_H 4-34, V_H 4-39, V_H 4-59 и V_H 5-51.

[000300] Согласно различным вариантам реализации указанные генные сегменты V_H выбраны из V_H 1-18, V_H 1-69, V_H 3-7, V_H 3-11, V_H 3-15, V_H 3-21, V_H 3-23, V_H 3-30, V_H 3-43, V_H 3-48, V_H 4-39, V_H 4-59 и V_H 5-51.

[000301] Согласно различным вариантам реализации указанные генные сегменты V_H выбраны из V_H 1-18, V_H 3-11, V_H 3-21, V_H 3-23, V_H 3-30, V_H 4-39 и V_H 4-59.

[000302] Согласно различным вариантам реализации указанные генные сегменты V_H выбраны из V_H 1-18, V_H 3-21, V_H 3-23, V_H 3-30 и V_H 4-39.

[000303] Согласно различным вариантам реализации указанные генные сегменты V_H выбраны из V_H 1-18, V_H 3-23 и V_H 4-39.

[000304] Согласно различным вариантам реализации указанные генные сегменты V_H выбраны из V_H 3-21, V_H 3-23 и V_H 3-30.

[000305] Согласно различным вариантам реализации указанные генные сегменты V_H выбраны из V_H 3-23, V_H 3-30 и V_H 4-39.

[000306] Согласно конкретному варианту реализации последовательность иммуноглобулина человека содержит по меньшей мере 18 генных сегментов V_H , 27 генных сегментов D_H и шесть генных сегментов J_H . Согласно конкретному варианту реализации указанная последовательность иммуноглобулина человека содержит по меньшей мере 39 генных сегментов V_H , 27 генных сегментов D_H и шесть генных сегментов J_H . Согласно конкретному варианту реализации указанная последовательность иммуноглобулина человека содержит по меньшей мере 80 генных сегментов V_H , 27 генных сегментов D_H и шесть генных сегментов J_H .

[000307] Согласно одному из вариантов реализации указанное не являющееся человеком животное представляет собой мышь, и у указанной мыши эндогенные генные сегменты V_H мыши заменены одним или более генными сегментами V_H человека, при этом указанные генные сегменты V_H человека функционально связаны с геном C_H

области мыши, так что у указанной мыши происходит реаранжировка генных сегментов V_H человека и экспрессируется обратно-гибридная тяжелая цепь иммуноглобулина, которая содержит V_H домен человека и C_H мыши. Согласно одному из вариантов реализации 90-100% переаранжированных генных сегментов V_H мыши заменяют по

меньшей мере одним переаранжированным генным сегментом человека V_H . Согласно конкретному варианту реализации все или практически все эндогенные генные сегменты V_H мыши заменяют по меньшей мере одним переаранжированным генным сегментом V_H человека.

Согласно одному из вариантов реализации для замены используют по меньшей мере 19, по меньшей мере 39, или по меньшей мере 80, или 81

переаранжированный генный сегмент V_H человека. Согласно одному из вариантов реализации для замены используют по меньшей мере 12 функциональных переаранжированных генных сегментов V_H человека, по меньшей мере 25

функциональных переаранжированных генных сегментов V_H человека, или по меньшей мере 43 функциональных переаранжированных генных сегментов V_H человека. Согласно одному из вариантов реализации у указанной мыши все мышные сегменты D_H и J_H заменены по меньшей мере одним переаранжированным сегментом D_H иммуноглобулина человека и по меньшей мере одним переаранжированным сегментом J_H

иммуноглобулина человека. Согласно одному из вариантов реализации указанный по меньшей мере один переаранжированный D_H сегмент человека выбран из 1-1, 1-7, 1-26, 2-8, 2-15, 3-3, 3-10, 3-16, 3-22, 5-5, 5-12, 6-6, 6-13, 7-27, и их комбинации. Согласно одному из вариантов реализации указанный по меньшей мере один переаранжированный J_H сегмент человека выбран из 1, 2, 3, 4, 5, 6 и их комбинации. Согласно конкретному варианту реализации указанный один или более генных сегментов человека V_H выбраны из генных сегментов V_H человека 1-2, 1-8, 1-24, 1-69, 2-5, 3-7, 3-9, 3-11, 3-13, 3-15, 3-20, 3-23, 3-30, 3-33, 3-48, 3-53, 4-31, 4-39, 4-59, 5-51, 6-1, и их комбинации.

[000308] Согласно различным вариантам реализации указанная последовательность иммуноглобулина человека функционально связана с константной областью зародышевой линии не являющегося человеком животного (например, грызуна, в частности, мыши, крысы или хомяка). Согласно одному из вариантов реализации указанная константная область представляет собой константную область человека; гибридную человека/мыши; или гибридную человека/крысы; или гибридную человека/хомяка; мыши, крысы или хомяка. Согласно одному из вариантов реализации указанная константная область представляет собой константную область грызуна (например, мыши, крысы или хомяка). Согласно конкретному варианту реализации указанный грызун представляет собой мышь или крысу. Согласно различным вариантам реализации указанная константная область содержит по меньшей мере домен C_H2 и домен C_H3 .

[000309] Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность тяжелой цепи иммуноглобулина человека расположена в локусе тяжелой цепи иммуноглобулина зародышевой линии указанного не являющегося человеком животного (например, грызуна, в частности, мыши, или крысы, или хомяка). Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность тяжелой цепи иммуноглобулина человека расположена в локусе, не являющимся локусом тяжелой цепи иммуноглобулина зародышевой линии указанного не являющегося человеком животного, при этом указанный локус, не являющийся локусом тяжелой цепи, представляет собой транскрипционно активный локус. Согласно конкретному варианту реализации указанный локус, не являющийся локусом тяжелой цепи представляет собой локус ROSA26.

[000310] Согласно различным аспектам у указанного не являющегося человеком животного также присутствует последовательность легкой цепи иммуноглобулина человека (например, одна или более переаранжированные последовательности легкой цепи V и J , или одна или более реаранжированные последовательности VJ) зародышевой линии указанного не являющегося человеком животного. Согласно конкретному варианту реализации указанная последовательность легкой цепи иммуноглобулина представляет собой к последовательность легкой цепи иммуноглобулина. Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность легкой цепи иммуноглобулина человека содержит один или более генных сегментов V_L . Согласно одному из вариантов реализации указанная последовательность легкой цепи иммуноглобулина человека содержит один или более генных сегментов J_L . Согласно

одному из вариантов реализации указанная последовательность легкой цепи иммуноглобулина человека содержит один или более генных сегментов V_L и один или более генных сегментов J_L . Согласно конкретному варианту реализации указанная последовательность легкой цепи иммуноглобулина человека содержит по меньшей мере 16 генных сегментов V_k и пять генных сегментов J_k . Согласно конкретному варианту реализации указанная последовательность легкой цепи иммуноглобулина человека содержит по меньшей мере 30 генных сегментов V_k и пять генных сегментов J_k . Согласно конкретному варианту реализации указанная последовательность легкой цепи иммуноглобулина человека содержит по меньшей мере 40 генных сегментов V_k и пять генных сегментов J_k . Согласно различным вариантам реализации указанная последовательность легкой цепи иммуноглобулина человека функционально связана с константной областью зародышевой линии указанного не являющегося человеком животного (например, грызуна, например, мыши, или крысы или хомяка). Согласно одному из вариантов реализации указанная константная область представляет собой константную область человека, гибридную человека/грызуна, мыши, крысы или хомяка. Согласно конкретному варианту реализации указанная константная область представляет собой константную область мыши или крысы. Согласно конкретному варианту реализации указанная константная область представляет собой к константную область мыши (mC_k) или к константную область крысы (rC_k).

[000311] Согласно одному из вариантов реализации указанное не являющееся человеком животное представляет собой мышь и у указанной мыши заменены все или практически все генные сегменты V_k и J_k по меньшей мере шестью гennыми сегментами V_k человека и по меньшей мере один генный сегмент J_k . Согласно одному из вариантов реализации все или практически все генные сегменты V_k и J_k заменяют по меньшей мере 16 гennыми сегментами человеческой V_k (V_k человека) и по меньшей мере одним генным сегментом J_k . Согласно одному из вариантов реализации все или практически все генные сегменты V_k и J_k заменяют по меньшей мере 30 гennими сегментами V_k человека и по меньшей мере одним генным сегментом J_k . Согласно одному из вариантов реализации все или практически все V_k и J_k генные сегменты заменяют по меньшей мере 40 гennими сегментами V_k человека и по меньшей мере один J_k генный сегмент. Согласно одному из вариантов реализации указанный по меньшей мере один J_k генный сегмент содержит два, три, четыре или пять генных сегмента J_k человека.

[000312] Согласно одному из вариантов реализации указанные генные сегменты V_k человека включают V_{k4-1} , V_{k5-2} , V_{k7-3} , V_{k2-4} , V_{k1-5} и V_{k1-6} . Согласно одному из вариантов реализации указанные генные сегменты V_k включают V_{k3-7} , V_{k1-8} , V_{k1-9} , V_{k2-10} , V_{k3-11} , V_{k1-12} , V_{k1-13} , V_{k2-14} , V_{k3-15} и V_{k1-16} . Согласно одному из вариантов реализации указанные генные сегменты V_k человека включают V_{k1-17} , V_{k2-18} , V_{k2-19} , V_{k3-20} , V_{k6-21} , V_{k1-22} , V_{k1-23} , V_{k2-24} , V_{k3-25} , V_{k2-26} , V_{k1-27} , V_{k2-28} , V_{k2-29} и V_{k2-30} . Согласно одному из вариантов реализации указанные генные сегменты V_k человека включают V_{k3-31} , V_{k1-32} , V_{k1-33} , V_{k3-34} , V_{k1-35} , V_{k2-36} , V_{k1-37} , V_{k2-38} , V_{k1-39} и V_{k2-40} .

[000313] Согласно конкретному варианту реализации генные сегменты V_k включают непрерывные генные сегменты к иммуноглобулину человека, охватывающие участки локуса к легкой цепи иммуноглобулина человека от V_{k4-1} до V_{k2-40} ; а генные сегменты J_k включают непрерывные генные сегменты, охватывающие участки локуса к легкой цепи иммуноглобулина человека от J_{k1} до J_{k5} .

[000314] Согласно одному из вариантов реализации последовательность легкой цепи иммуноглобулина человека расположена в локусе легкой цепи иммуноглобулина

зародышевой линии не являющегося человеком животного. Согласно конкретному варианту реализации указанный локус легкой цепи иммуноглобулина зародышевой линии не являющегося человеком животного представляет собой локус к легкой цепи иммуноглобулина. Согласно одному из вариантов реализации указанная

5 последовательность легкой цепи иммуноглобулина человека расположена в транскрипционно активном локусе, не являющемся локусом легкой цепи иммуноглобулина зародышевой линии указанного не являющегося человеком животного. Согласно конкретному варианту реализации указанный не-иммуноглобулиновый локус представляет собой локус ROSA26.

10 [000315] Согласно одному из аспектов предложен способ получения антитела человека, при этом указанное антитело человека содержит вариабельные домены, полученные с применением одной или более последовательностей вариабельной области нуклеиновой кислоты, кодируемой в клетке не являющегося человеком животного согласно описанию в настоящей заявке.

15 [000316] Согласно одному из аспектов предложена фармацевтическая композиция, содержащая полипептид, который включает антитело или фрагмент антитела, который получен с применением одной или более последовательностей нуклеиновой кислоты вариабельной области, выделенных из не являющегося человеком животного согласно описанию в настоящей заявке. Согласно одному из вариантов реализации указанный 20 полипептид представляет собой антитело. Согласно одному из вариантов реализации указанный полипептид представляет собой антитело, состоящее только из тяжелой цепи. Согласно одному из вариантов реализации указанный полипептид представляет собой одноцепочечный вариабельный фрагмент (например, scFv).

[000317] Согласно одному из аспектов предложено применение отличного от человека 25 животного согласно настоящему описанию для получения антитела. Согласно различным вариантам реализации указанное антитело содержит один или более вариабельных доменов, полученные из одной или более последовательностей нуклеиновой кислоты вариабельной области, выделенной из указанного отличного от человека животного. Согласно конкретному варианту реализации указанные 30 нуклеотидные последовательности вариабельных областей включают генные сегменты тяжелой цепи иммуноглобулина. Согласно конкретному варианту реализации указанные нуклеотидные последовательности вариабельных областей включают генные сегменты легкой цепи иммуноглобулина.

ПРИМЕРЫ

35 [000318] Следующие примеры приведены для описания получения и применения способов и композиций согласно настоящему изобретению, и не предназначены для ограничения заявленного авторами объема настоящего изобретения. Если не указано иное, температура приводится в градусах Цельсия; давление равно или приблизительно равно атмосферному.

40 Пример 1

Гуманизация генов иммуноглобулина мыши

[000319] Для конструирования 13 разных направленных векторов ВАС (ВАСвек) для гуманизации локусов тяжелой цепи и к легкой цепи иммуноглобулина мыши применяли искусственные бактериальные хромосомы (ВАС) человека и мыши. В 45 Таблицах 1 и 2 приведены описания этапов конструирования всех ВАСвек, использованных для гуманизации локусов тяжелой цепи и к легкой цепи иммуноглобулина мыши, соответственно.

[000320] Идентификация ВАС человека и мыши. Мышиные ВАС, включающие 5' и

3'-концы локусов тяжелой цепи и к легкой цепи иммуноглобулина, идентифицировали гибридизацией фильтров маркированных с применением библиотек ВАС или с помощью ПЦР-скрининга ДНК-полов ВАС-библиотек. Фильтры гибридизовали в стандартных условиях с применением зондов, соответствующих представляющим интерес областям.

- 5 Скрининг полов библиотек проводили с помощью ПЦР с применением уникальных пар праймеров, flankирующих нужную целевую область. Дополнительно проводили ПЦР с применением тех же праймеров для деконволюции определенных лунок и выделения соответствующих представляющих интерес ВАС. И ВАС-фильтры, и пулы библиотек получали из мышиных ЭС-клеток 129 SvJ (Incyte Genomics/Invitrogen). ВАС 10 человека, содержащие целиком локусы тяжелой цепи и к легкой цепи иммуноглобулина, идентифицировали либо гибридизацией фильтров, маркированных с применением библиотеки ВАС, (библиотеки Caltech B, C, или D и библиотека RPCI-11, Research Genetics/ Invitrogen) скринингом полов библиотек ВАС человека (Caltech library, Invitrogen) с применением ПЦР, либо используя базу данных концевых последовательностей ВАС 15 (библиотека Caltech D, TIGR).

[000321] Конструирование ВАСвс с помощью бактериальной гомологичной рекомбинации и лигирования. Бактериальную гомологичную рекомбинацию (BHR) выполняли согласно описанию (Valenzuela et al., 2003; Zhang et al., 1998, A new logic for DNA engineering using recombination in *Escherichia coli*, Nat Genet 20:123-128). В большинстве

- 20 случаев линейные фрагменты синтезировали, лигируя полученные с помощью ПЦР гомологичные фрагменты в клонированные кассеты с последующим выделением из геля продуктов лигирования и внедрением электропорацией в BHR-компетентные бактерии, несущие целевую ВАС. После отбора на содержащих подходящий антибиотик чашках Петри корректно рекомбинированные ВАС идентифицировали с помощью 25 ПЦР в обоих новых сочленениях с последующим рестрикционным анализом гель-электрофорезом в пульсирующем поле (Schwartz and Cantor, 1984, Separation of yeast chromosome-sized DNAs by pulsed field gradient gel electrophoresis, Cell 37:67-75) и выборочная проверка с помощью ПЦР с применением праймеров, распределемых по последовательностям человека.

- 30 [000322] 3hV_H ВАСвс конструировали, проводя три последовательных этапа BHR для начального этапа гуманизации локуса тяжелой цепи иммуноглобулина (ФИГ.4А и Таблица 1). На первом этапе (Этап 1) в родительский ВАС человека в 5'-направлении от генного сегмента V_H1-3 человека вводили кассету, содержащую область гомологии 35 с локусом тяжелой цепи иммуноглобулина мыши (HB1), ген, придающий устойчивость к канамицину у бактерий и устойчивость к G418 у животных клеток (kanR), и участок сайт-специфической рекомбинации (например, loxP). На втором этапе (Этап 2), непосредственно за последним J_H сегментом в 3'-направлении вводили вторую кассету, содержащую вторую область гомологии с локусом тяжелой цепи иммуноглобулина мыши (HB2) и ген, придающий устойчивость к спектиномицину у бактерий (specR).

- 40 Указанный второй этап включал удаление последовательностей локуса тяжелой цепи иммуноглобулина человека в 3'-направлении от J_H и гена устойчивости к хлорамфениколу ВАС-вектора (cmR). Затем, на третьем этапе (Этап 3), ВАС человека с двойной модификацией (B1) линеаризовали с применением сайтов I-CeuI, добавленных 45 на протяжении первых двух этапов и встроенных в мышний ВАС (B2) с помощью BHR по двум областям гомологии (HB1 и HB2). Селективный отбор с антибиотиками для первого (cm/kan), второго (spec/kan) и третьего (cm/kan) этапа организовали таким образом, чтобы обеспечить специфичность к нужным продуктам. Модифицированные

ВАС-клоны анализировали с применением гель-электрофореза в пульсирующем поле (PFGE) после расщепления рестрикционными ферментами для определения подходящей конструкции (ФИГ.4В).

[000323] Сходным образом были сконструированы 12 дополнительных ВАСвс для

5 гуманизации локусов тяжелой цепи и к легкой цепи. В некоторых случаях лигирование ВАС выполняли вместо ВHR для соединения двух больших ВАС введением редких сайтов рестрикции в оба родительских ВАСвс с помощью ВHR, наряду с точным размещением селектируемых маркеров. Это позволяло сохранить нужный продукт лигирования при отборе с определенными сочетаниями маркеров лекарственной 10 устойчивости. Рекомбинантные ВАС, полученные лигированием после расщепления редкими рестрикционными ферментами идентифицировали и проводили их скрининг аналогично таковым для ВАС, полученных с помощью ВHR (согласно описаниям выше).

Таблица 1			
	ВАСвс Этап	Описание	Способ
15	3hV _H	1 Встраивание в 5'-направлении гомологичного фрагмента мыши в проксимальный ВАС человека CTD-257202	BHR
		2 Встраивание в 3'-направлении гомологичного фрагмента мыши в проксимальный ВАС человека CTD-257202	BHR
		3 Встраивание 3hV _H /27hD _H /9hJ _H в мышиный проксимальный ВАС CT7-302a07 с получением 3hV _H ВАСвс	BHR
20	DC	1 Встраивание кассеты на дистальном конце мышиного Ig _H локуса с применением мышью ВАС CT7-253i20	BHR
		2 Встраивание маркера specR на 3'-конце 3hV _H вставки с применением ВАС человека CTD-2572o2	BHR
25	18hV _H	3 Встраивание сайтов I-CeuI и Not, flankирующих rigoR на 5'-конце вставки 3hV _H	BHR
		4 Встраивание Not сайта на 3'-конце ВАС Rel2-408p02 (\approx 10 т.н. в 3' направлении от V _H 2-5)	BHR
		5 Лигирование 184 т.н. фрагмента этапа 4 в вектор размером 153 т.н. этапа 2	Лигирование
		6 Укорочение области гомологии человека в ВАС CTD-2572o2 с удалением \approx 85 т.н. и сохранением 65 т.н. области гомологии с 3hV _H	BHR
		7 Встраивание кассеты и сайта Not на дистальном конце мышиного Ig _H локуса в ВАС CT7-253i20	BHR
30		8 Субклонирование мышиного дистального плеча гомологии для вставки в 5'-направлении от ВАС человека	Лигирование
		9 Встраивание 20 т.н. мышиного плеча в 5'-направлении от Rel2-408p02	BHR
		10 Замена селективной кассеты hygR на neoR с получением 18hV _H ВАСвс	BHR
		11 Встраивание I-CeuI и PI-SceI сайтов, flankирующих hygR, в дистальный конец ВАС человека CTD-2534n10	BHR
35	39hV _H	12 Встраивание CmR на проксимальном конце ВАС CTD-2534n10 для обеспечения селекции для лигирования с RP11-72n10 ВАС	BHR
		13 Встраивание сайта PI-SceI в ВАС RP11-72n10 для лигирования с ВАС CTD-2534n10	BHR
		14 Встраивание I-CeuI и AscI сайтов, flankирующих rigoR, на дистальном конце ВАС RP11-72n10	BHR
		15 Лигирование 161 т.н. фрагмента из конструкции этапа 4 в конструкцию этапа 2 с заменой hygR	Лигирование
		16 Встраивание neoR и сайта AscI на проксимальном конце мышиного дистального плеча гомологии с	BHR
		17 применением ВАС CT7-253i20	
40		18 Встраивание specR и сайта I-CeuI на дистальном конце мышиного дистального плеча гомологии	BHR
		19 Лигирование мышиного дистального плеча гомологии на вставку человека этапа 5	Лигирование
		20 Замена селективной кассеты neo на hyg с применением UbCp и pA как гомологичных фрагментов с получением 39hV _H ВАСвс	BHR
		21 Встраивание specR на проксимальном конце ВАС CTD-3074b5 человека	BHR
45	53hV _H	22 Встраивание сайта AscI на дистальном конце CTD-3074b5 ВАС человека	BHR
		23 Встраивание hygR и сайта AscI на проксимальном конце мышиного дистального плеча гомологии с применением ВАС CT7-253i20	BHR
		24 Лигирование мышиного дистального плеча гомологии на конструкцию этапа 2	Лигирование

	5	Замена селективной кассеты hyg на neo с применением UbCp и pA как гомологичных фрагментов с получением 53hV _H BACvec	BHR
5	1	Встраивание PI-SceI и I-Ceul сайтов, flankирующих spec, на дистальном конце BAC CTD-2195p5 человека	BHR
	2	Встраивание сайта I-Ceul на проксимальном конце BAC RP11-926p12 для лигирования с BAC CTD-2195p5	BHR
	3	Встраивание PI-SceI и AscI сайтов на дистальном конце BAC RP11-926p12 для лигирования мышевого плеча	BHR
	4	Лигирование мышевого дистального плеча гомологии на конструкцию этапа 3	Лигирование
	5	Лигирование мышевого дистального плеча гомологии и hIgH фрагмента из BAC RP11-926p12 на BAC CTD-2195p5 с получением 70 hV _H BACvec	Лигирование
10	1	Встраивание I-Ceul и AscI сайтов, flankирующих hygR, на дистальном конце BAC CTD-2313e3	BHR
	2	Лигирование мышевого дистального плеча гомологии на BAC человека CTD-2313e3 этапа 1 с получением 80hV _H BACvec	Лигирование

Таблица 2			
BACvec	Этап	Описание	Способ
Igk-PC	1	Встраивание loxP сайта в мышевый J-C инtron с применением BAC CT7-254m04	BHR
	1	Встраивание loxP сайта на дистальном конце мышевого Igk локуса с применением BAC CT7-302g12	BHR
6hV _K	1	Встраивание сайта PI-SceI ≈400 п.о. в 3'-направлении от hJκ5 в BAC CTD-2366j12	BHR
	2	Встраивание сайтов I-Ceul и AscI, flankирующих hygR, на дистальном конце BAC CTD-2366j12	BHR
	3	Встраивание I-Ceul и PI-SceI сайтов, flankирующих puroR, в 3'-направлении от mJκ с применением BAC CT7-254m04	BHR
	4	Встраивание hIgVκ/Jκ в 5'-направлении от Enhκ/Cκ мыши с применением конструкции этапа 3	Лигирование
	5	Замена cmR в конструкции этапа 4 на specR	BHR
	6	Встраивание Neo селективной кассеты на дистальном конце мышевого Igκ локуса с применением BAC CT7-302g12	BHR
	7	Лигирование мышевого дистального плеча гомологии в 5'-направлении от вставки человека в конструкции этапа 6 с получением 6hV _K BACvec	Лигирование
16hV _K	1	Встраивание NeoR на дистальном конце BAC RP11-1061b13	BHR
	2	Замена cmR в конструкции этапа 1 на specR	BHR
	3	Встраивание Hyg-селективной кассеты на дистальном конце мышевого Igκ локуса с применением BAC CT7-302g12	BHR
	4	Лигирование мышевого дистального плеча гомологии в 5'-направлении от вставки человека из конструкции этапа 2 с получением 16hV _K BACvec	Лигирование
30hV _K	1	Встраивание HygR на дистальном конце BAC RP11-99g6	BHR
	2	Замена cmR в конструкции этапа 1 на specR	BHR
	3	Встраивание Neo-селективной кассеты на дистальном конце мышевого Igκ локуса с применением BAC CT7-302g12	BHR
	4	Лигирование мышевого дистального плеча гомологии в 5'-направлении от вставки человека из конструкции этапа 2 с получением 30hV _K BACvec	Лигирование
40hV _K	1	Встраивание NeoR на дистальном конце hIgH локуса в BAC CTD-2559d6	BHR
	2	Замена cmR в конструкции этапа 1 на specR	BHR
	3	Лигирование мышевого дистального плеча гомологии в 5'-направлении от вставки человека в конструкцию этапа 2 с получением 40hV _K BACvec	Лигирование

[000324] Модификация эмбриональных стволовых (ЭС) клеток и получение мышей. Таргетинг ЭС-клеток (F1H4) осуществляли с применением генноинженерной методики VELOCIGENE® согласно описанию (Valenzuela et al., 2003). Получение мышей из модифицированных ЭС-клеток введением либо в бластоциту (Valenzuela et al., 2003), либо на стадии 8-клеток (Poueymirou et al., 2007, F0 generation mice fully derived from genetargeted embryonic stem cells allowing immediate phenotypic analyses, Nat Biotechnol 25: 91-99) проводили согласно описанию. Успешный таргетинг ЭС-клеток и мышей подтверждали скринингом ДНК ЭС-клеток или мышей с применением уникальных наборов зондов и праймеров для анализа на основе ПЦР (например, ФИГ.3А, 3В и 3С). Все исследования на мышах проводились под надзором и с разрешения Комитета по содержанию и использованию лабораторных животных (IACUC) компании Регенерон (Regeneron's Institutional Animal Care and Use Committee).

[000325] Анализ кариотипа и флуоресцентная гибридизация *in situ* (FISH). Анализ

кариотипа выполняли с использованием банка клеток института медицинских исследований Кориелла (Coriell Institute for Medical Research, Кэмден, Нью-Джерси). Проводили FISH таргетированных ЭС-клеток согласно описанию (Valenzuela et al., 2003). Зонды, соответствующие ДНК мышиной ВАС или ДНК человеческой ВАС, были 5 помечены с помощью ник-трансляции (Invitrogen) флуоресцентно меченными dUTP нуклеотидами в оранжевом или зеленом спектре (Vysis).

[000326] Вариабельный генный локус тяжелой цепи иммуноглобулина. Гуманизация вариабельной области локуса тяжелой цепи достигалась за девять последовательных этапов прямой заменой приблизительно трех млн. п.о. (Мб) непрерывной геномной 10 последовательности мыши, содержащих все V_H , D_H и генные сегменты J_H , на приблизительно 1 Мб непрерывной геномной последовательности человека, содержащей эквивалентные генные сегменты человека (ФИГ.1А и Таблица 1) с применением VELOCIGENE® генноинженерной методики (см., например, патент США №6586251 и Valenzuela et al., 2003).

[000327] Инtron между генными сегментами J_H и генами константной области (J-C инtron) содержит энхансер транскрипции (Neuberger, 1983, Expression and regulation of immunoglobulin heavy chain gene transfected into lymphoid cells, EMBO J 2:1373-1378) с следующей за ним областью простых повторов, требующихся для рекомбинации при изотипическом переключении (Kataoka et al., 1980, Rearrangement of immunoglobulin gamma 20 1-chain gene and mechanism for heavy-chain class switch, PNAS USA 77:919-923). На стыке областей V_H - D_H - J_H человека и C_H области мыши (проксимальное сочленение) оставляли инtronный энхансер тяжелой цепи мыши и домен переключения для сохранения у мыши эффективной экспрессии и переключения классов в гуманизированном локусе тяжелой 25 цепи. Точное расположение нуклеотидов этого и следующих сочленений во всех заменах было возможно за счет применения генноинженерной технологии VELOCIGENE® (выше), где используется бактериальная гомологичная рекомбинация, управляемая синтетическими олигонуклеотидами. Соответственно, проксимальное сочленение размещали на расстоянии приблизительно 200 п.о. в 3'-направлении от последнего J_H 30 генного сегмента, а дистальное сочленение размещали на расстоянии в несколько сотен в 5'-направлении от крайнего с 5'-стороны V_H генного сегмента локуса человека и на расстоянии приблизительно 9 т.н. в 3'-направлении от генного сегмента V_H 1-86 мыши, также известного как J558.55. Указанный генный сегмент мыши V_H 1-86 (J558.55) 35 представляет собой самый дистальный вариабельный генный сегмент тяжелой цепи, который, как сообщалось, является псевдогеном у мышей C57BL/6, однако потенциально активным, хотя и со слабой RSS-последовательностью, в целом 129 аллеле. Дистальный конец локуса тяжелой цепи мыши, как сообщалось, может содержать контролирующие элементы, регулирующие экспрессию и/или реаранжировку локуса (Pawlitzky et al., 2006).

[000328] Первая вставка последовательности ДНК иммуноглобулина человека мыши достигалась с применением 144 т.н. из проксимального конца локуса тяжелой цепи человека, содержащих 3 генных сегмента V_H , все 27 генных сегмента D_H и 9 генных сегментов J_H человека, встраиваемых в проксимальный конец локуса Ig $_H$ мыши, с 40 одновременным удалением 16,6 т.н. мышиной геномной последовательности, с применением приблизительно 75 т.н. мышиных плеч гомологии (Этап А, ФИГ.2А; Таблицы 1 и 3, 3h V_H). Указанную большую вставку размером 144 т.н. и сопутствующее 45 удаление 16,6 т.н. проводили за один этап (Этап А), частота успешности которого

составляла 0,2% (Таблица 3). Корректно таргетированные ЭС-клетки оценивали при помощи анализа утраты природных аллелей (loss-of-native-allele assay, LONA) (Valenzuela et al., 2003) с применением зондов для удаленной последовательности мыши и фланкирующих ее областей и для встроенной последовательности человека; целостность

5 большой вставки человека подтверждали с применением нескольких зондов, охватывающих вставку целиком (ФИГ.3А, 3В и 3С). Так как предполагалось проведение множества раундов последовательного таргетинга ЭС-клеток, клоны таргетированных ЭС-клеток на этом и всех последующих этапах подвергали кариотипическому анализу (выше), и для последующих этапов использовали только клоны с кариотипами,

10 нормальными по меньшей мере в 17 спредах из 20.

[000329] Таргетированные ЭС-клетки согласно Этапу А повторно модифицировали посредством BACvecs, производившим удаление 19 т.н. на дистальном конце локуса тяжелой цепи (Этап В, ФИГ.2А). BACvecs Этапа В содержал ген устойчивости к гигромицину (hyg), а не ген устойчивости к неомицину (neo), содержащийся на BACvecs этапа А. Гены устойчивости из указанных двух BACvecs были сконструированы таким образом, что при успешном таргетинге одной и той же хромосомы примерно три Мб локуса вариабельных генов тяжелой цепи мыши, содержащих все генные сегменты V_H мыши, отличные от V_H1-86, и все генные сегменты D_H, отличные от DQ52, а также два указанных гена устойчивости, были фланкированы сайтами loxP; DQ52 и все генные сегменты J_H цепи мыши удаляли на Этапе А. Клоны ЭС-клеток, повторно 20 модифицированные по той же хромосоме, идентифицировали, переводя 3hV_H проксимальную кассету в гомозиготное состояние при высоком содержании G418 (Mortensen et al., 1992, Production of homozygous mutant ES cells with a single targeting 25 construct, Mol Cell Biol 12:2391-2395), а затем обращались как с дистальной hyg кассетой. Сегменты мыши размером до 4 Мб, модифицированные так, чтобы их фланкировали сайты loxP, были успешно удалены в ЭС-клетках транзиторной экспрессией рекомбиназы CRE с высокой эффективностью (до ≈11%) даже в отсутствие отбора по лекарственной 30 устойчивости (Zheng et al., 2000, Engineering mouse chromosomes with Cre-loxP: range, efficiency, and somatic applications, Mol Cell Biol 20:648-655). Сходным образом авторы изобретения добивались удаления 3 Мб в 8% клонов ЭС-клеток после транзиторной экспрессии CRE (Этап С, ФИГ.2А; Таблица 3). Удаление оценивали с помощью анализа LONA с применением зондов на каждом конце удаленной последовательности мыши, а также по утрате neo и hyg и появлению продукта ПЦР участка удаления, содержащего 35 единственный оставшийся сайт loxP. Далее, удаление подтверждали флуоресцентной гибридизацией *in situ* (данные не показаны).

[000330] Остаток вариабельной области тяжелой цепи человека добавляли в 3hV_H аллель за 5 этапов с применением генноинженерной технологии VELOCIGENE® (Этапы Е-Н, ФИГ.2В), при этом каждый этап включал точно определенную вставку до 210 т.н. 40 генных последовательностей человека. Проксимальный конец каждого нового BACvecs для каждого этапа был сконструирован так, чтобы перекрывать расположенные с дистальной стороны последовательности человека предыдущего этапа, а дистальный конец каждого нового BACvecs содержал такую же дистальную область мышиной гомологии, что и на Этапе А. BACvecs этапов D, F и H содержали neo-селективные 45 кассеты, тогда как BACvecs этапов E и G содержали hyg-селективные кассеты, соответственно, отбор проводили по G418 либо по гигромицину. Таргетинг на Этапе D оценивали по утрате уникального продукта ПЦР в дистальном сайте loxP 3hV_H гибридного аллеля. Таргетинг на Этапах Е-І оценивали по утрате предыдущей

селективной кассеты. На последнем этапе (Этап I, ФИГ.2В)neo-селективную кассету, фланкированную FRT сайтами (McLeod et al., 1986, Identification of the crossover site during FLP-mediated recombination in the *Saccharomyces cerevisiae* plasmid 2 microns circle, Mol Cell Biol 6:3357-3367), удаляли транзиторной экспрессией FLP (Buchholz et al., 1998, Improved properties of FLP recombinase evolved by cycling mutagenesis, Nat Biotechnol 16:657-662).

Каждую последовательность человека в ВАСчес для Этапов D, E и G получали из двух родительских ВАС человека, тогда как последовательности для Этапов F и H получали из одиночных ВАС. Сохранность последовательностей человека подтверждали на каждом этапе с применением нескольких зондов, охватывающих встроенные

последовательности человека (согласно описаниям выше, например, ФИГ.3А, 3В и 3С). Только клоны с нормальными кариотипом и потенциалом зародышевой линии сохраняли на каждом этапе. ЭС-клетки с последнего этапа были по-прежнему способны вносить вклад в зародышевую линию после девяти последовательных манипуляций (Таблица 3). Мыши, гомозиготные по каждому из аллелей тяжелой цепи, были жизнеспособны, выглядели здоровыми и демонстрировали гуморальную иммунную систему практически дикого типа (см. Пример 3).

Таблица 3

Гибридный аллель	Последовательность человека	Направленная конструкция	Эффективность таргетинга	Частота использования, %	Общ. V _H	Функциональные V _H
3hV _H	144 т.н.	240 т.н.	0,2%	5	3	3
3hV _H /DC	144 т.н.	110 т.н.	0,1%	5	3	3
3hV _H /CRE	144 т.н.	-	8%	5	3	3
18hV _H	340 т.н.	272 т.н.	0,1%	25	18	12
39hV _H	550 т.н.	282 т.н.	0,2%	60	39	25
53hV _H	655 т.н.	186 т.н.	0,4%	65	53	29
70hV _H	850 т.н.	238 т.н.	0,5%	90	70	39
80hV _H	940 т.н.	124 т.н.	0,2%	100	80	43
80hV _H Neo	940 т.н.	-	2,6%	100	80	43

[000331] Вариабельный генный локус к легкой цепи иммуноглобулина. Вариабельную область к легкой цепи гуманизировали за восемь последовательных этапов прямой заменой приблизительно трех Мб последовательности мыши, содержащих все V_K и J_K генные сегменты, приблизительно 0,5 Мб последовательности человека, содержащей проксимальные V_K и J_K генные сегменты человека, способом, сходным с использованным для тяжелой цепи (ФИГ.1В; Таблицы 2 и 4).

[000332] Локус вариабельной области к легкой цепи человека содержит два почти идентичных 400 т.н. повтора, разделенных спайсером размером 800 т.н. (Weichhold et al., 1993, The human immunoglobulin kappa locus consists of two copies that are organized in opposite polarity, Genomics 16:503-511). Так как повторы настолько сходны, вариабельность локуса может почти полностью быть воспроизведена у мышей посредством применения проксимального повтора. Также было описан природный аллель локуса к легкой цепи человека с отсутствующим дистальным повтором (Schaible et al., 1993, The immunoglobulin kappa locus: polymorphism and haplotypes of Caucasoid and non-Caucasoid individuals, Hum Genet 91:261-267). Авторы изобретения заменили приблизительно три Мб мышиной последовательности к легкой цепи вариабельных генов на приблизительно 0,5 Мб последовательности к человека легкой цепи вариабельных генов для эффективной замены всех генных сегментов V_K и J_K мыши на проксимальные генные сегменты V_K человека и все генные сегменты J_K человека

(ФИГ.2С и 2D; Таблицы 2 и 4). В отличие от способа, описанного в Примере 1 для локуса тяжелой цепи, полную генную область V_k мыши, содержащую все V_k и J_k генные сегменты, удаляли с помощью трехэтапного процесса до добавления каких-либо последовательностей человека. Сначала вводили кассету neo в проксимальный конец 5 вариабельной области (Этап А, ФИГ.2С). Затем встраивали кассету hyg в дистальный конец к-локуса (Этап В, ФИГ.2С). Также в каждой селективной кассете размещали сайты распознавания рекомбиназы (например, loxP), так что обработка CRE индуцировала удаление оставшихся 3 Мб области V_k мыши, а также обоих генов устойчивости (Этап С, ФИГ.2С).

10 [000333] Геномный фрагмент человека размером приблизительно 480 т.н., содержащий полную вариабельную область к легкой цепи иммуноглобулина, встраивали за четыре последовательных этапа (ФИГ.2D; Таблицы 2 и 4), с встраиванием за один этап 150 т.н. к-последовательности легкой цепи иммуноглобулина человека при помощи способов, сходных с используемыми для тяжелой цепи (см. Пример 1). Полученный 15 ген устойчивости к гигромицину удаляли транзиторной экспрессией FLPe. Как и в случае тяжелой цепи, у таргетированных ЭС-клеточных клонов оценивали целостность полной вставки человека, нормальность кариотипа и потенциал зародышевой линии после выполнения каждого этапа. Получали мышей, гомозиготных по каждой из аллелей к легкой цепи, и было установлено, что они здоровы и имеют нормальные внешние 20 признаки.

Таблица 4

Гибрид- ный ал- лель	Последовательность человека	Направленная кон- струкция	Эффективность тарге- тинга	Частота исполь- зования, %	Общ. V _k	Функциональные V _k
Igk-PC	0	132 т.н.	1,1%	-	-	-
Igk-PC/ DC	0	90 т.н.	0,4%	-	-	-
Igk-CRE	0	-	1%	-	-	-
6hV _k	110 т.н.	122 т.н.	0,3%	14	6	4
16hV _k	240 т.н.	203 т.н.	0,4%	47	16	11
30hV _k	390 т.н.	193 т.н.	0,1%	70	30	18
40hV _k	480 т.н.	185 т.н.	0,2%	100	40	25
40hV _k dHg	480 т.н.	-	0,7%	100	40	25

Пример 2

Получение полностью гуманизированных мышей комбинированием нескольких гуманизированных иммуноглобулиновых аллелей

35 [000334] В разные моменты ЭС-клетки, несущие часть вариабельных наборов тяжелой цепи иммуноглобулина или к легкой цепи человека согласно описанию в Примере 1, микроинъектировали, и полученных мышей размножали с получением нескольких вариантов мышей VELOCIMMUNE® с прогрессивно увеличивающимися долями репертуаров иммуноглобулинов зародышевой линии человека (Таблица 5; ФИГ.5А и 5В). У мышей VELOCIMMUNE® 1 (V1) присутствует 18 генных сегментов V_H человека и все генные сегменты D_H и J_H человека, скомбинированные с 16 генными сегментами V_k человека и всеми генными сегментами J_k человека. У мышей VELOCIMMUNE® 2 (V2) и VELOCIMMUNE® (V3) имеются расширенные репертуары вариабельных областей, 40 содержащие в общей сложности 39 V_H и 30 V_k, и 80 V_H и 40 V_k, соответственно. Так как геномные области, кодирующие генные сегменты V_H, D_H и J_H, мыши, а также генные сегменты V_k и J_k, полностью замещены, антитела, синтезируемые всеми вариантами мышей VELOCIMMUNE®, содержат вариабельные области человека, соединенные с 45

константными областями мыши. Локусы λ легкой цепи мыши остаются интактными согласно различным вариантам реализации мышей VELOCIMMUNE® и служат для сравнения эффективности экспрессии различные локусов к легкой цепи VELOCIMMUNE®.

- 5 [000335] Мышей с двойной гомозиготностью по гуманизации как тяжелой цепи, так и к легкой цепи иммуноглобулина получали из подгруппы аллелей, описанных в Примере 1. Все генотипы наблюдали на протяжении цикла размножения для получения мышей с двойной гомозиготностью, встречаемость которых приблизительно соответствует менделевским пропорциям. У самцов из потомства, гомозиготных по каждому из
- 10 аллелей тяжелой цепи человека, наблюдалось снижение фертильности, обусловленное утратой активности мышного ADAM6. Локус генов вариабельных областей тяжелой цепи мыши содержит два внедренных функциональных гена ADAM6 (ADAM6a и ADAM6b). При гуманизации указанного локуса генов вариабельных областей тяжелой цепи мыши встраиваемая геномная последовательность человека содержала псевдоген
- 15 ADAM6. Мышиный ADAM6 может быть необходим для фертильности, и таким образом отсутствие генов ADAM6 мыши в гуманизированных локусах генов вариабельных областей тяжелой цепи может приводить к снижению фертильности, несмотря на присутствие псевдогена человека. В Примерах 7-11 описано реконструирование генов ADAM6 мыши в гуманизированном вариабельном генном локусе тяжелой цепи, и
- 20 восстановление соответствующего дикому типу уровня фертильности у мышей с гуманизированным локусом тяжелой цепи иммуноглобулина.

Таблица 5

25	Вариант мыши	Тяжелая цепь			к Легкая цепь		
		VELOCIMMUNE® V _H человека	Аллель	5' V _H ген	V _K человека	Аллель	5' V _K ген
	V1	18	18hV _H	V _H 1-18	16	16hV _K	V _K 1-16
	V2	39	39hV _H	V _H 4-39	30	30hV _K	V _K 2-29
	V3	80	80hV _H	V _H 3-74	40	40hV _K	V _K 2-40

Пример 3

- 30 Популяции лимфоцитов у мышей с гуманизированными генами иммуноглобулина [000336] Зрелые популяции В-клеток трех разных вариантов мышей VELOCIMMUNE® оценивали с помощью проточной цитометрии.

- [000337] Вкратце, суспензии клеток из костного мозга, селезенки и тимуса получали с применением стандартных способов. Клетки ресуспендировали до концентрации 35 5×10⁵ клеток/мл в FACS-буфере для окрашивания BD Pharmingen, блокировали анти-мышиным CD16/32 (BD Pharmingen), окрашивали подходящей смесью антител и фиксировали в BD CYTOFIX™ в соответствии с инструкциями производителей. Полученную клеточную массу ресуспендировали в 0,5 мл буфера для окрашивания и анализировали с применением программного обеспечения BD FACSCALIBUR™ и BD 40 CELLQUEST PRO™. Все антитела (BD Pharmingen) готовили в разведении и добавляли до конечной концентрации 0,5 мг/10⁵ клеток.

- [000338] Для окрашивания костного мозга брали следующие смеси антител (A-D): A: ФИТЦ-меченные против мышного IgM^b, ФЭ-меченные против мышного IgM^a, 45 против мышного CD45R(B220)-APC; B: ФЭ-меченные против мышного CD43(S7), против мышного CD45R(B220)-APC; C: ФЭ-меченные против мышного CD24(HSA); против мышного CD45R(B220)-APC; D: ФЭ-меченные против мышного BP-1, против мышного CD45R(B220)-APC.

[000339] Для окрашивания селезенки и ингвинальных лимфатических узлов (Е-Н) брали следующие смеси антител: Е: ФИТЦ-меченные против мышиного IgM^b, ФЭ-меченные против мышиного IgM^a, против мышиного CD45R(B220)-APC; F: ФИТЦ-меченные против мышиного Ig, λ1, λ2, λ3 легкие цепи, ФЭ-меченные против мышиного Igκ легкие цепи, против мышиного CD45R(B220)-APC; G: ФИТЦ-меченные против мышиного Ly6G/C, ФЭ-меченные против мышиного CD49b(DX5), против мышиного CD11b-APC; H: ФИТЦ-меченные против мышиного CD4(L3T4), ФЭ-меченные против мышиного CD45R(B220), против мышиного CD8a-APC. Результаты приведены на ФИГ.6.

[000340] Лимфоциты, выделенные из селезенки или лимфатического узла гомозиготных мышей VELOCIMMUNE®, окрашивали на поверхность экспрессию маркеров B220 и IgM и анализировали с применением проточной цитометрии (ФИГ.6). Размеры зрелых B220⁺ IgM⁺ популяции В-клеток у всех протестированных вариантов мышей VELOCIMMUNE® были практически идентичны таковым у мышей дикого типа, независимо от числа имеющихся у них генных сегментов V_H. Кроме того, у мышей с гомозиготными гибридными гуманизированными локусами тяжелой цепи иммуноглобулина, даже при присутствии только 3 генных сегмента V_H, но с нормальными локусами к легкой цепи иммуноглобулина мыши, или у мышей с гомозиготными гибридными гуманизированными локусами к легкой цепи и нормальными локусами тяжелой цепи иммуноглобулина мыши, также содержалось нормальное количество B220⁺ IgM⁺ клеток периферических компартментов (не показано). Эти результаты указывают на то, что гибридные локусы с вариабельными генными сегментами человека и константными областями мыши способны полностью обеспечить популяцию зрелых В-клеток. Далее, число вариабельных генных сегментов в локусах как тяжелой цепи, так и к легкой цепи, и, соответственно, теоретическое разнообразие репертуара антител, не коррелирует со способностью к образованию популяций зрелых В-клеток дикого типа. Напротив, у мышей со случайнным образом встроенными полностью человеческими трансгенами иммуноглобулина и инактивированными локусами иммуноглобулина количество В-клеток этих компартментов снижено, при этом тяжесть указанного дефицита зависит от числа вариабельных генных сегментов, включенных в трансген (Green and Jakobovits, 1998, Regulation of B cell development by variable gene complexity in mice reconstituted with human immunoglobulin yeast artificial chromosomes, J Exp Med 188:483-495). Это указывает на то, что стратегия «генетической гуманизации in situ» приводит к принципиально иному функциональному результату по сравнению со случайнным образом встраиваемыми трансгенами при подходе «нокаут-плюс-трансген».

[000341] Аллельное исключение и выбор локуса. Способность поддерживать аллельное исключение исследовали у мышей, гетерозиготных по различным вариантам гуманизированного локуса тяжелой цепи иммуноглобулина.

[000342] Гуманизацию иммуноглобулиновых локусов проводили в F1 линии ЭС (F1H4, Valenzuela et al., 2003), полученных из гетерозиготных эмбрионов 129S6/SvEvTac и C57BL/6NTac. Последовательности генов вариабельных областей тяжелой цепи зародышевой линии человека таргетируют в аллель 129S6, несущий гаплотип IgM^a, тогда как немодифицированный аллель мыши C576BL/6N несет гаплотип IgM^b. Указанные аллельные формы IgM можно различить с помощью проточной цитометрии

с применением антител, специфичных к полиморфизмам, обнаруживаемым в аллелях IgM^a или IgM^b. Как видно из ФИГ.6 (нижний ряд), В-клетки, идентифицированные у мышей, гетерозиготных по каждому варианту гуманизированного локуса тяжелой цепи, экспрессируют исключительно один аллель, либо IgM^a (гуманизированный аллель), либо IgM^b (аллель дикого типа). Это указывает на то, что механизмы, вовлеченные в аллельное исключение, у мышей VELOCIMMUNE® интактны. Кроме того, относительное число В-клеток, позитивных по гуманизированному аллелю (IgM^a), примерно пропорционально числу присутствующих генных сегментов V_H.

Гуманизированный иммуноглобулиновый локус экспрессируется приблизительно в 30% В-клеток гетерозиготных мышей VELOCIMMUNE® 1, у которых присутствует 18 генных сегментов V_H человека, и в 50% В-клеток гетерозиготных мышей VELOCIMMUNE® 2 и 3 (не показано), у которых присутствует 39 и 80 генных сегментов V_H человека, соответственно. Примечательно, что доля клеток, экспрессирующих гуманизированный/дикого типа аллель мыши (0,5 для мышей VELOCIMMUNE® 1 и 0,9 для мышей VELOCIMMUNE® 2) выше, чем доля числа вариабельных генных сегментов, содержащихся в указанных гуманизированных локусах/локусах дикого типа (0,2 для мышей VELOCIMMUNE® 1 и 0,4 для мышей VELOCIMMUNE® 2). Это может указывать на то, что вероятность выбора аллеля определяется случайным выбором той или иной хромосомы и случайным выбором любой RSS V-сегмента. Далее, в части В-клеток, но не во всех, один аллель может становиться доступным для рекомбинации, завершать процесс и останавливать рекомбинацию до того, как становится доступен другой аллель. Кроме того, равномерное распределение клеток с поверхностным IgM (sIgM), происходящим либо из гибридного гуманизированного локуса тяжелой цепи, либо из локуса тяжелой цепи мыши дикого типа, представляет собой доказательство того, что гибридный локус функционирует на нормальном уровне. Напротив, случайным образом встроенные трансгены иммуноглобулина человека не в состоянии адекватно конкурировать с локусами иммуноглобулина мышей дикого типа (Bruggemann et al., 1989, A repertoire of monoclonal antibodies with human heavy chains from transgenic mice, PNAS 86:6709-6713; Green et al., 1994; Tuailon et al., 1993, Human immunoglobulin heavy-chain minilocus recombination in transgenic mice: gene-segment use in mu and gamma transcripts, PNAS USA 90:3720-3724). Это также подтверждает, что иммуноглобулины, синтезируемые у мышей VELOCIMMUNE®, функционально отличны от синтезируемых с помощью случайным образом встраиваемых трансгенов у мышей, полученных с применением методик «nockout-плюс-трансген».

[000343] Для линий 129S6 или C57BL/6N данные по полиморфизму областей Ск для изучения аллельного исключения в гуманизированных\негуманизированных локусах к легкой цепи недоступны. Как бы то ни было, у всех мышей VELOCIMMUNE® присутствуют локусы λ легкой цепи мыши дикого типа, следовательно, есть возможность отследить, может ли реаранжировка и экспрессия гуманизированных локусов к легкой цепи предотвращать экспрессию λ легкой цепи мыши. Отношение числа клеток, экспрессирующих гуманизированные к легкой цепи и числа клеток, экспрессирующих λ легкую цепь мыши, оставалось относительно неизменным у мышей VELOCIMMUNE® по сравнению мышами дикого типа, независимо от числа генных сегментов V_k человека, встроенных в локус к легкой цепи (ФИГ.6, третий ряд сверху). Кроме того, количество двойных позитивных (к плюс λ) клеток не возрастало, что указывает на то, что продуктивная рекомбинация в гибридных локусах к легкой цепи приводит к

соответствующему подавлению рекомбинации локусов λ легкой цепи мыши. Напротив, мыши, у которых имеются случайным образом встроенные к легкой цепи трансгены с инактивированными локусами к легкой цепи мыши - но локусы λ легкой цепи мыши дикого типа - наблюдается резкое увеличение отношения λ/k (Jakobovits, 1998), что

5 означает, что встроенные трансгены к легкой цепи не функционируют у таких мышей правильным образом. Это еще раз подтверждает иной функциональный результат, наблюдаемый для иммуноглобулинов, синтезируемых мышами VELOCIMMUNE® по сравнению с полученными методом «nockout-плюс-трансген» мышами.

[000344] Развитие В-клеток. Так как популяции зрелых В-клеток у мышей

10 VELOCIMMUNE® напоминают таковые мышей дикого типа (описанные выше), возможно, дефекты ранней дифференцировки В-клеток компенсируются размножением популяций зрелых В-клеток. Различные стадии дифференцировки В-клетки исследовали посредством анализа В-клеточных популяций с применением проточной цитометрии. В Таблице 6 представлено относительное содержание типов клеток в каждой В-
15 клеточной линии, определенные с помощью РАС, с применением специфических маркеров клеточной поверхности, у мышей VELOCIMMUNE® по сравнению с однопометными мышами дикого типа.

[000345] Раннее развитие В-клеток происходит в костном мозге, и разные стадии дифференцировки В-клеток характеризуются изменениями типов и интенсивности

20 экспрессии маркеров клеточной поверхности. Указанные различия в экспрессии на поверхности коррелируют с молекулярными изменениями, происходящими в иммуноглобулиновых локусах внутри клетки. Для перехода от про-В к пре-В клеткам необходимы успешные реаранжировка и экспрессия функционального белка тяжелой цепи, а переход от пре-В к стадии зрелых В-клеток регулируется корректными
25 реаранжировкой и экспрессией к либо λ легкой цепи. Соответственно, неуспешный переход между стадиями дифференцировки В-клеток можно отследить по изменениям относительного содержания популяций В-клеток на определенной стадии.

Таблица 6

30 Вариант мышьи VELOCIMMUNE®	Костный мозг				Селезенка	
	про-В CD43 ^{hi} B220 ^{lo}	пре-В CD24 ^{hi} B220 ^{lo}	Незрелые B220 ^{lo} IgM ⁺	Зрелые B220 ^{hi} IgM ⁺	Пролиферирующие B220 ^{hi} IgM ⁺ IgD ⁺	Зрелые B220 ^{hi} IgM ⁺
V1	1,1	1,0	0,9	1,0	1,1	1,0
V2	1,0	1,0	1,0	1,0	1,0	1,0
V3	1,0	1,0	1,1	1,0	1,0	1,1

35 [000346] Значительных дефектов дифференцировки В-клеток у каких-либо мышей VELOCIMMUNE® не наблюдалось. Введение генных сегментов тяжелой цепи человека по-видимому, не влияют на переход от про-В к пре-В, а введение генные сегменты к легкой цепи человека не влияет на переход от пре-В к В у мышей VELOCIMMUNE®.
40 Это указывает на то, что «обратно-гибридные» молекулы иммуноглобулина, содержащие вариабельные области человека и константные области мыши функционируют нормально в контексте В-клеточной сигнализации и ко-рецепторных молекул, что приводит к надлежащей дифференцировке В-клеток у мыши. И напротив, у мышей со случайным образом встроенными трансгенами иммуноглобулина и
45 инактивированными эндогенными локусами тяжелой цепи или к легкой цепи баланс между разными популяциями на протяжении дифференцировки В-клеток в той или иной степени нарушен (Green и Jakobovits, 1998).

Пример 4

Репертуар вариабельных генов у мышей с гуманизированным иммуноглобулином [000347] Частоту использования вариабельных генных сегментов человека в репертуаре гуманизированных антител у мышей VELOCIMMUNE® анализировали при помощи полимеразной цепной реакции с обратной транскриптазой (ОТ-ПЦР)

5 вариабельных областей человека из нескольких источников, включая спленоциты и гибридомные клетки. Оценивали последовательность вариабельной области, частоту использования генных сегментов, соматические сверхмутации и множественность J-сегментов реаранжированных генных сегментов вариабельной области.

[000348] Вкратце, из 1×10^7 - 2×10^7 спленоцитов или приблизительно 10^4 - 10^5 гибридомных клеток выделяли тотальную РНК с применением набора TRIZOL™ (Invitrogen) или Qiagen RNEASY™ Mini Kit (Qiagen) и обрабатывали специфическими праймерами константных областей мыши с применением системы SUPERSCRIPT™ III One-Step RT-PCR (Invitrogen). Реакции проводили на 2-5 мкл РНК из каждого образца с применением вышеуказанных 3'-специфических к константным областям праймеров, спаренных со смешанными праймерами лидерных областей, для каждого семейства вариабельных областей человека, для тяжелой цепи и к легкой цепи, по отдельности. Использовали объемы реагентов и праймеров и условия ОТ-ПЦР/ПЦР, соответствующие инструкциям производителя. Последовательности праймеров основаны на разных источниках (Wang and Stollar, 2000, Human immunoglobulin variable region gene analysis by single cell RT-PCR, J Immunol Methods 244:217-225; Ig-primer sets, Novagen). При необходимости проводили вторичную вложенную ПЦР со смешанными специфическими праймерами каркасных участков семейства и тем же специфическим для константных областей иммуноглобулина мыши 3'-праймером, что и для первичной реакции. Аликвоты (5 мкл) из каждой реакции анализировали электрофорезом в агарозном геле и продукты реакции очищали от агарозы с применением набора MONTAGE™ Gel Extraction Kit (Millipore). Очищенные продукты клонировали с применением системы клонирования TOPO™ TA Cloning System (Invitrogen) и трансформировали в DH10β E.coli клетки электропорацией. Индивидуальные клоны отбирали из каждой реакции трансформации и культивировали в 2 мл культурального бульона LB с отбором по устойчивости к антибиотику в течение ночи при 37°C. Плазмидную ДНК выделяли из бактериальных культур с применением наборов (Qiagen).

[000349] Частота использования вариабельных генов иммуноглобулина. Плазмидную ДНК клонов как тяжелой цепи, так и к легкой цепи секвенировали либо T7, либо M13 обратными праймерами на анализаторе ABI 3100 Genetic Analyzer (Applied Biosystems). 35 Необработанные данные последовательностей импортировали в SEQUENCER™ (v4.5, Gene Codes). Каждую последовательность собирали в контиг и выравнивали по последовательностям иммуноглобулина человека с применением поисковой функции IMGT V-Quest (Brochet et al., 2008, IMGT/V-QUEST: the highly customized and integrated system for IG and TR standardized V-J and V-D-J sequence analysis, Nucleic Acids Res 36:W503-508) для определения частоты использования сегментов V_H, D_H, J_H и V_K, J_K человека. 40 Последовательности сравнивали с последовательностями зародышевой линии для анализа соматической сверхмутации и рекомбинации сочленений.

[000350] Из ЭС-клеток, содержащих первую модификацию тяжелой цепи (гибридный аллель 3hV_H-CRE, внизу на ФИГ.2А), RAG-комплémentацией получали мышей (Chen et al., 1993, RAG-2-deficient blastocyst complementation: an assay of gene function in lymphocyte development, PNAS USA 90:4528-4532), и выделяли кДНК из РНК спленоцитов. кДНК амплифицировали с применением наборов специфических праймеров (описанных выше)

для предсказанной иРНК гибридной тяжелой цепи, которые должны возникать при V(D)J рекомбинации во встроенных генных сегментах человека с последующим сплайсингом с образованием константных доменов мышиных IgM или IgG. По 5 последовательностям, полученным из указанных кДНК-клонов (не показаны), видно, что произошла полноценная V(D)J рекомбинация последовательностей генов вариабельных областей человека, что реаранжированные V(D)J генные сегменты человека были надлежащим образом сплайсированы внутри рамки считывания в константные домены мыши, и что произошла рекомбинация с переключением классов. Выполняли дальнейший анализ последовательностей иРНК-продуктов следующих 10 гибридных иммуноглобулиновых локусов.

[000351] В сходном эксперименте В-клетки не-иммунизированных мышей дикого типа и мышей VELOCIMMUNE® разделяли проточной цитометрией на основании экспрессии на поверхности B220 и IgM или IgG. Клетки с $B220^+ IgM^+$ или поверхностным 15 IgG^+ ($sIgG^+$) объединяли и получали V_H и V_k последовательности после ОТ-ПЦР-амплификации и клонирования (описано выше). Регистрировали типовые частоты использования генов в наборе ОТ-ПЦР-амплифицированных кДНК из неиммунизированных мышей VELOCIMMUNE® 1 (Таблица 7) и мышей VELOCIMMUNE® 3 (Таблица 8) (*дефектные RSS; † отсутствующий или псевдоген).

20 Звездочка: генные сегменты с дефектными RSS. †: генный сегмент отсутствует или представляет собой псевдоген.

Таблица 7

V_H	Регистрируемая частота	D_H	Регистрируемая частота	V_k	Регистрируемая частота
1-18	3	1-1	1	1-16	2
1-17P	0	2-2	2	3-15	1
3-16*	0	3-3	4	1-12	5
3-15	13	4-4	0	3-11	1
3-13	9	5-5	0	1-9	5
3-11	6	5-18	4	1-8	2
3-9	8	6-6	5	3-7*	0
1-8	6	1-7	7	1-6	5
3-7	2	2-8	0	1-5	8
2-5	2	3-9	4	5-2	6
1-3	0	3-10	2	4-1	8
1-2	11	4-11	1	J_k Регистрируемая частота	
6-1	5	5-12	1	1	12
J_H Регистрируемая частота		6-13	3	2	10
1	2	1-14	0	3	5
2	1	2-15	0	4	10
3	8	3-16	1	5	0
4	33	4-17	0		
5	5	6-19	2		
6	16	1-20	2		
		2-21	1		
		3-22	0		
		4-23	2		
		5-24	1		
		6-25	1		
		1-26	6		
		7-27	10		

Таблица 8

	V _H	Регистрируемая частота	D _H	Регистрируемая частота	V _K	Регистрируемая частота
5	7-81†	0	1-1	7	2-40	1
	3-74†	0	2-2	8	1-39	34
	3-73	1	3-3	9	1-37	2
	3-72	2	4-4	4	1-33	35
	2-70	2	5-5	6	2-30	8
	1-69	3	5-18	6	2-29	2
	3-66	1	6-6	29	2-28	7
10	3-64	1	1-7	30	1-27	5
	4-61	1	2-8	4	2-24	7
	4-59	10	3-9	8	6-21*	3
	1-58	0	3-10	10	3-20	10
	3-53	0	4-11	4	1-17	13
	5-51	5	5-12	5	1-16	10
15	3-49	2	6-13	17	3-15	13
	3-48	7	1-14	2	1-12	13
	1-46	1	2-15	3	3-11	13
	1-45	0	3-16	4	1-9	11
	3-43	10	4-17	3	1-8	1
	4-39	4	6-19	8	3-7*	0
20	3-38*	0	1-20	3	1-6	6
	3-35*	0	2-21	1	1-5	7
	4-34	8	3-22	5	5-2	0
	3-33	14	4-23	2	4-1	21
25	4-31	4	5-24	2	J _K	Регистрируемая частота
	3-30	13	6-25	2	1	50
	4-28	0	1-26	17	2	37
	2-26	0	7-27	7	3	28
	1-24	3	J _H	Регистрируемая частота	4	64
	3-23	18	1	2	5	22
30	3-21	0	2	8		
	3-20	0	3	26		
	1-18	4	4	95		
	1-17P	1	5	11		
	3-16*	0	6	58		
35	3-15	13				
	3-13	6				
	3-11	5				
	3-9	31				
	1-8	7				
	3-7	11				
40	2-5	1				
	1-3	0				
	1-2	6				
	6-1	9				

[000352] Как видно из Таблиц 7 и 8, использованы почти все функциональные генные сегменты V_H, D_H, J_H, V_K и J_K человека. Некоторые из функциональных вариабельных генных сегментов, описанные, но не обнаруженные у мышей VELOCIMMUNE® в этом эксперименте, как сообщалось, содержат дефектные сигнальные последовательности рекомбинации (RSS) и, соответственно, ожидаю не должны экспрессироваться (Feeney,

2000, Factors that influence formation of B cell repertoire, Immunol Res 21:195-202). Анализ нескольких других наборов последовательностей иммуноглобулина различных мышей VELOCIMMUNE®, выделенных как из интактных, так и иммунизированных репертуаров, свидетельствовал об использовании указанных генных сегментов, хотя и с более низкими частотами (данные не показаны). Из совокупности данных по частотам использования генов видно, что в различных интактных и иммунизированных репертуарах наблюдались все функциональные генные сегменты V_H , D_H , J_H , V_k и J_k человека, присутствующие у мышей VELOCIMMUNE® (данные не показаны). Хотя генный сегмент человека V_H^{7-81} и обнаружен при анализе последовательностей локуса тяжелой цепи человека (Matsuda et al., 1998, The complete nucleotide sequence of the human immunoglobulin heavy chain variable region locus, J Exp Med 188:2151-2162), он отсутствует у мышей VELOCIMMUNE®, что подтверждается повторным секвенированием полного генома мышей VELOCIMMUNE® 3.

[000353] Известно, что последовательности тяжелых и легких цепей антител проявляют исключительную вариативность, в особенности короткие полипептидные сегменты реаранжированного вариабельного домена. Указанные области, известные как гипервариабельные области или участки, определяющие комплементарность (CDR-области), формируют сайты связывания антигена в структуре молекулы антитела. Промежуточные полипептидные последовательности называются каркасными областями (FR). И тяжелые, и легкие цепи содержат по три CDR (CDR1, CDR2, CDR3) и 4 FR (FR1, FR2, FR3, FR4). Одна из последовательностей CDR, CDR3, уникальна в том отношении, что она образуется в результате рекомбинации как генных сегментов V_H , D_H и J_H , так и генных сегментов V_k и J_k , и вносит значительный вклад в разнообразие репертуара еще до контакта с антигеном. Сочленение неточное, что обусловлено как удалением нуклеотидов в результате экзонуклеазной активности, так и нематричного присоединения терминальной дезоксинуклеотидилтрансферазой (TdT) и, соответственно, обеспечивает появление новых последовательностей в результате процесса рекомбинации. Несмотря на то, что и для FR-последовательностей могут наблюдаться существенные уровни соматических мутаций из-за высокой мутабильности вариабельной области в целом, вариабельность, тем не менее, не распределена равномерно по всей вариабельной области. CDR представляют собой сконцентрированные локализованные области высокой вариабельности на поверхности молекулы антитела, обеспечивающие связывание антигена. Последовательности тяжелой цепи и легкой цепи отобранных антител мышей VELOCIMMUNE® вокруг CDR3-сочленения, демонстрирующие множественность J -сегментов, показаны на ФИГ.7А и 7В, соответственно.

[000354] Как видно из ФИГ.7А, в антителах мышей VELOCIMMUNE® нематричное присоединение добавочных нуклеотидов (N-присоединение) наблюдается как в V_H - D_H , так и в D_H - J_H сочленениях, указывая на надлежащее функционирование TdT в сегментах человека. Сравнение концов V_H , D_H и J_H сегментов с эквивалентами зародышевой линии указывает также на присутствие экзонуклеазной активности. В отличие от локуса тяжелой цепи, при реаранжировке к легкой цепи человека наблюдается незначительное число или отсутствие присоединений TdT в последовательности CDR3, образующейся в результате рекомбинации сегментов V_k и J_k (ФИГ.7В). Предположительно, это происходит ввиду отсутствия экспрессии TdT у мышей во время реаранжировки легкой цепи при переходе от пре-В к В-клеткам. Наблюданное разнообразие CDR3 реаранжированных V_k областей человека обусловлено главным образом экзонуклеазной активностью на протяжении процесса рекомбинации.

[000355] Соматическая сверхмутация. Дополнительное разнообразие в вариабельные области реаранжированных генов иммуноглобулина во время реакции в зародышевом центре вносит процесс, называемый соматической сверхмутацией. В-клетки, экспрессирующие соматически мутированные вариабельные области, конкурируют с другими В-клетками за доступ к антигену, презентируемому фолликулярными дендритными клетками. В-клетки с более высокой аффинностью к антигену в дальнейшем будут размножаться и перетерпевать переключение классов перед выходом на периферию. Соответственно, В-клетки, экспрессирующие переключенные изотипы, как правило, сталкивались с антигеном, прошли реакции в зародышевом центре, и содержат более число мутаций по сравнению с необученными В-клетками. Далее, последовательности вариабельной области преимущественно необученных sIgM⁺ В-клеток предположительно должны содержать относительно меньше мутаций по сравнению с вариабельными последовательностями sIgG⁺ В-клеток, прошедших антигennую селекцию.

[000356] Последовательности произвольно выбранных клонов V_H или V_K из sIgM⁺ или sIgG⁺ В-клеток не-иммунизированных мышей VELOCIMMUNE® или sIgG⁺ В-клеток иммунизированных мышей сравнивали с вариабельными генными сегментами их зародышевых линий и отмечали изменения относительно последовательностей зародышевой линии. Полученные нуклеотидные последовательности транслировали *in silico* и отмечали также мутации, приводящие к заменам аминокислот. Данные по всем вариабельным областям сопоставляли и рассчитывали процент изменений в определенной позиции (ФИГ.8).

[000357] Как видно из ФИГ.8, в вариабельных областях тяжелой цепи человека, полученных из sIgG⁺ В-клеток не-иммунизированных мышей VELOCIMMUNE® наблюдается значительно больше нуклеотидов относительно sIgM⁺ В-клеток из того же пула спленоцитов, и даже большее количество изменений наблюдается в вариабельных областях тяжелых цепей, полученных от иммунизированных мышей. Количество изменений увеличивается на определяющих комплементарность участках (CDR) по сравнению с каркасными областями, что указывает на селекцию антигенов. В соответствующих аминокислотных последовательностях вариабельных областей тяжелой цепи человека также обнаруживаются значительно большие количества мутаций в IgG, чем IgM, и еще большие - в иммунизированных IgG. В свою очередь, указанные мутации, по-видимому, чаще встречаются в CDR-последовательностях по сравнению с каркасными последовательностями, что указывает на то, что антитела проходили селекцию *in vivo*. Сходное увеличение количества нуклеотидных и аминокислотных мутаций обнаруживается в последовательностях V_K, полученных из IgG⁺ В-клеток иммунизированных мышей.

[000358] Частота использования генов и частота соматических сверхмутаций, наблюдаемые у мышей VELOCIMMUNE®, показывают, что практически все присутствующие генные сегменты способны к реаранжировке с образованием полностью функциональных обратных гибридных антител у указанных мышей. Далее, антитела VELOCIMMUNE® в полной мере задействованы иммунной системой мышей, претерпевая аффинную селекцию и созревание с получением полностью зрелых антител человека, способных эффективно нейтрализовать целевые антигены. VELOCIMMUNE® мыши способны давать мощный иммунный ответ на разнообразные классы антигенов, что приводит использованию широкого спектра антител человека, и высокоаффинных, и

подходящие для применения в качестве терапевтических средств (данные не показаны).

Пример 5

Анализ структуры лимфоидных органов и изотипов сыворотки

[000359] Макроструктуру селезенки, ингвинальных лимфатических узлов, пейкеровых

5 бляшек и тимуса из образцов тканей мышей дикого типа или мышей VELOCIMMUNE®, окрашенных гематоксилином-эозином, исследовали с применением оптической микроскопии. Уровни изотипов иммуноглобулина в сыворотке, взятой у мышей дикого типа и мышей VELOCIMMUNE®, анализировали с применением технологии LUMINEX™.

[000360] Структура лимфоидных органов. Структура и функция лимфоидных тканей

10 частично зависят от правильного развития гемопоэтических клеток. Нарушение развития или функции В-клеток может проявляться в виде изменения структуры лимфоидных тканей. Анализ окрашенных тканевых срезов не показал значительных внешних различий вторичных лимфоидных органов мышей дикого типа и мышей VELOCIMMUNE® (данные не показаны).

15 [000361] Уровни сывороточного иммуноглобулина. Уровни экспрессии каждого изотипа сходны у мышей дикого типа и мышей VELOCIMMUNE® (ФИГ.9A, 9B и 9C). Это указывает на то, что гуманизация вариабельных генных сегментов не оказывает очевидного негативного влияния на переключение классов или экспрессию и секрецию иммуноглобулинов, следовательно, все эндогенные последовательности мыши, 20 необходимые для указанных функций, сохраняются.

Пример 6

Иммунизация и синтез антител у мышей с гуманизированным иммуноглобулином

[000362] Различные варианты мышей VELOCIMMUNE® иммунизировали антигеном для изучения гуморального ответа на стимуляцию чужеродным антигеном.

25 [000363] Иммунизация и получение гибридом. Мыши VELOCIMMUNE® и мыши дикого типа могут быть иммунизированы антигеном в виде белка, ДНК, комбинации ДНК и белка или клеток, экспрессирующих указанный антиген. Как правило, животные получают бустерные прививки каждые три недели, всего 2-3 раза. После каждой

30 бустерной прививки антигена получают образцы сыворотки от каждого животного и анализируют на антиген-специфический ответ с образованием антител определением титра в сыворотке. Перед слиянием мыши получают последнюю бустерную прививку 5 мкг белка или ДНК, в зависимости от ситуации, в виде внутрибрюшинной или внутривенной инъекции. Спленоциты собирают и сливают с клетками миеломы Ag8.653 в камере для электрослияния в соответствии с предложенным изготовителем протоколом

35 (Cyto Pulse Sciences Inc., Glen Burnie, MD). Через 10 дней культивирования проводят скрининг гибридом на антиген-специфичность с применением ИФА-анализа (Harlow and Lane, 1988, Antibodies: A Laboratory Manual, Cold Spring Harbor Press, New York). Как вариант, антиген-специфические В-клетки выделяют непосредственно из иммунизированных мышей VELOCIMMUNE® и проводят их скрининг с применением

40 стандартных методик, включая описанные в настоящей заявке, для получения специфических антител человека к представляющему интерес антигену (например, см. US 2007/0280945A1, полное содержание которого включено в настоящую заявку посредством ссылки).

45 [000364] Определение титра в сыворотке. Для отслеживания ответа на антигены в сыворотке животных пробы сыворотки отбирают приблизительно через 10 дней после каждой бустерной прививки, и определяют титры с применением антиген-специфического ИФА. Вкратце, 96-луночные планшеты Nunc MAXISORPTM покрывают 2 мкг/мл антигена, оставляют на ночь при 4°C и блокируют альбумином бычьей сыворотки

- (Sigma, St. Louis, MO). Образцы сыворотки в серийных 3-кратных разведениях оставляют для связывания в планшетах на протяжении 1 часа при комнатной температуре. Затем планшеты промывают ФСБ, содержащим 0,05% ТВИН-20, и связанный IgG определяют с применением HRP-конъюгированного козьего анти-мышиного Fc (Jackson Immuno Research Laboratories, Inc., West Grove, PA) для получения общего титра IgG, или биотин-меченых изотип-специфичных или специфичных к легкой цепи поликлональных антител (Southern Biotech Inc.) для получения титров конкретных изотипов, соответственно. При применении меченых биотином антител после промывания планшетов добавляют HRP-конъюгированный стрептавидин (Pierce, Rockford, IL). Во все планшеты добавляют колориметрические субстраты, такие как BD OPTEIA™ (BD Biosciences Pharmingen, Сан-Диего, Калифорния). После того, как реакцию останавливают 1 М фосфорной кислоты, регистрируют оптическое поглощение при 450 нм и анализируют данные с применением программного обеспечения PRISM™ от Graph Pad. Титр определяют как разведение, необходимое для получения сигнала, в два раза превышающего фоновый.
- [000365] В одном из экспериментов мышей VELOCIMMUNE® иммунизировали рецептором интерлейкина-6 человека (hIL-6R). Типовые серии титров в сыворотке мышей VELOCIMMUNE® и мышей дикого типа, иммунизированных hIL-6R, приведены на ФИГ.10А и 10В.
- [000366] У мышей VELOCIMMUNE® и мышей дикого типа развивался мощный ответ на IL-6R со сходными диапазонами титров (ФИГ.10А). У некоторых мышей из когорт мышей VELOCIMMUNE® и мышей дикого типа максимальный ответ развивался после одной бустерной прививки антигена. Эти результаты указывают на то, что сила и кинетика иммунного ответа на указанный антиген сходны у мышей VELOCIMMUNE® и мышей дикого типа. Затем указанный антиген-специфический ответ с образованием антител анализировали для изучения конкретных изотипов антигенспецифичных антител, обнаруживаемых в сыворотке. И в группах мышей VELOCIMMUNE®, и в группах мышей дикого типа в основном вырабатывался IgG1 (ФИГ.10В), что указывает на то, что переключение классов при гуморальном ответе происходит сходным образом у мышей всех типов.
- [000367] Определение аффинности связывания антитела с антигеном в растворе. Как правило, для определения аффинности связывания антитела с антигеном проводят конкурентный анализ в растворе на основе ИФА.
- [000368] Вкратце, антитела в кондиционированной среде предварительно смешивают с серийно разведенным в диапазоне от 0 до 10 мг/мл антигенным белком. Затем растворы смесей антитела и антигена инкубируют от двух до четырех часов при комнатной температуре для достижения равновесного связывания. Затем количества свободного антитела в смесях определяют с помощью количественного сэндвич-ИФА. 96-луночные планшеты MAXISORB™ (VWR, Вест Честер, Пенсильвания) покрывают 1 мкг/мл антигенного белка в растворе ФСБ и оставляют на ночь при 4°C с последующей блокировкой неспецифического связывания с применением БСА. Затем растворы смесей антитело-антиген переносят на планшеты и инкубируют в течение 1 часа. Затем планшеты промывают отмывочным буфером, связанные с планшетом антитела выявляют с применением препарата HRP-конъюгированных козьих поликлональных антител против IgG мыши (Jackson Immuno Research Lab) и обрабатывают колориметрическими субстратами, такими как BD OPTEIA™ (BD Biosciences Pharmingen, Сан Диего, Калифорния). После того, как реакцию останавливают 1 М фосфорной кислоты, регистрируют оптическое поглощение при 450 нм и анализируют данные с применением программного обеспечения PRISM™ от Graph Pad. Зависимость сигналов

от концентраций антигена в растворе анализируют с применением четырехпараметрической оптимизации и представляют в виде IC₅₀, концентрации антигена, которая требуется для 50%-ного снижения сигнала от образцов антител при отсутствии антигена в растворе.

⁵ [000369] В одном из экспериментов мышей VELOCIMMUNE® иммунизировали hIL-6R (согласно описаниям выше). На ФИГ.11А и 11В приведен типовая серия показателей аффинности анти-hILGR антител мышей VELOCIMMUNE® и мышей дикого типа.

[000370] После получения иммунизированными мышами третьей антигенной бустерной прививки, определяют титры в сыворотке с применением анализа ИФА.

¹⁰ Спленоциты выделяют из мышей отобранных когорт дикого типа и VELOCIMMUNE®, сливают с клетками миеломы Ag8.653 с образованием гибридом и культивируют в селективных условиях (согласно описаниям выше). Среди полученных 671 анти-IL-6R гибридом обнаружено 236, экспрессирующих антиген-специфичные антитела. Среду, собранную из антиген-положительных лунок, использовали для определения

¹⁵ способности антитела к связыванию антигена, с применением конкурентного ИФА-анализа в растворе. Антитела, полученные от мышей VELOCIMMUNE®, демонстрируют широкий диапазон аффинности связывания антигенов в растворе (ФИГ.11А). При этом обнаружено, что 49 из 236 анти-IL-6R гибридом блокируют связывание IL-6 с рецептором в биоанализе *in vitro* (данные не показаны). Далее, указанные 49 анти-IL-6R блокирующие

²⁰ антитела демонстрировали диапазон высоких значений аффинности в растворе, сходный с диапазоном блокирующих антител, полученных при параллельной иммунизации мышей дикого типа (ФИГ.11В).

Пример 7

Конструирование направленного вектора ADAM6 мыши

²⁵ [000371] Из-за замены локусов вариабельных генов тяжелой цепи иммуноглобулина мыши локусами вариабельных генов тяжелой цепи иммуноглобулина человека, у первых вариантов мышей VELOCIMMUNE® отсутствовала экспрессия генов ADAM6 мыши. В частности, у мышей-самцов VELOCIMMUNE® наблюдалось снижение фертильности. Соответственно, способность экспрессировать ADAM6 была реконструирована у ³⁰ мышей VELOCIMMUNE® для восстановления нарушенной фертильности.

[000372] Направленный вектор для вставки генов ADAM6α и ADAM6β мыши в гуманизированный локус тяжелой цепи конструировали с применением VELOCIGENE® генноинженерной методики (выше) для модификации искусственной бактериальной хромосомы (BAC) 929d24, предоставленной д-ром Фредериком Альтом (Dr. Frederick Alt, Гарвардский университет). ДНК BAC 929d24 была сконструирована таким образом, чтобы включать геномные фрагменты, содержащие гены ADAM6α и ADAM6β мыши и гигромициновую кассету для направленного удаления псевдогена ADAM6 человека (hADAM6Ψ), расположенного между генными сегментами V_H1-2 и V_H6-1 человека в ³⁵ гуманизированном локусе тяжелой цепи (ФИГ.12).

⁴⁰ [000373] Сначала геномный фрагмент, содержащий ген ADAM6β мыши, ~800 п.о. расположенной в обратном направлении (5') последовательности и ~4800 п.о. расположенной в прямом направлении (3') последовательности субклонировали из клона BAC 929d24. Второй геномный фрагмент, содержащий ген ADAM6α мыши, ~300 п.о. расположенной в обратном направлении (5') последовательности и ~3400 п.о.

⁴⁵ расположенной в прямом направлении (3') последовательности, отдельно субклонировали из клона BAC 929d24. Указанные два геномных фрагмента, содержащие гены ADAM6β и ADAM6α мыши, лигировали в гигромициновую кассету, фланкованную сайтами рекомбинации FRT, с получением направленного вектора

(направленный вектор ADAM6 мыши, ФИГ.12; SEQ ID NO:3). Сайты разных рестрикционных ферментов встраивали в 5'-конец направленного вектора после гена ADAM6b мыши и в 3'-конец после гена ADAM6a мыши (снизу на ФИГ.12) для лигирования в гуманизированный локус тяжелой цепи.

⁵ [000374] Отдельно модифицировали клон ВАС, содержащий замену локусов вариабельных генов тяжелой цепи мыши локусами вариабельных генов тяжелой цепи человека, в том числе псевдоген ADAM6 человека (hADAM6Ψ), расположенный между генными сегментами V_H1-2 и V_H6-1 человека в гуманизированном локусе, для последующего лигирования направленного вектора ADAM6 мыши (ФИГ.13).

¹⁰ [000375] Вкратце, неомициновую кассету,flenкированную сайтами рекомбинации loxP, конструировали таким образом, чтобы она содержала плечи гомологии, включающие геномную последовательность человека в положении 3' от генного сегмента V_H1-2 человека (5' относительно hADAM6Ψ) и 5' от генного сегмента человека V_H6-1 (3' относительно hADAM6Ψ; см. середину ФИГ.13). Сайт вставки указанной ¹⁵ направленной конструкции располагался приблизительно в пределах от 1.3 т.н. в 5' направлении и до ~350 п.о. в 3' направлении от псевдогена человека ADAM6. Указанная направленная конструкция включала также те же сайты рестрикции, что и направленный вектор ADAM6 мыши, чтобы позволить последующее лигирование ВАС ²⁰ модифицированного клона ВАС с делецией псевдогена ADAM6 человека и направленного вектора ADAM6 мыши.

[000376] После расщепления ДНК ВАС, полученной из обеих конструкций, геномные фрагменты лигировали совместно для создания сконструированного клона ВАС, содержащего гуманизированный локус тяжелой цепи с эктопически расположенной ²⁵ геномной последовательностью, содержащей нуклеотидные последовательности ADAM6a и ADAM6b мыши. Полученная направленная конструкция для удаления гена ADAM6 человека в гуманизированном локусе тяжелой цепи и вставки последовательностей ADAM6a и ADAM6b мыши в ЭС-клетки включала, начиная с 5'- и до 3'-областей, 5' геномный фрагмент, содержащий ~13 т.н. геномной ³⁰ последовательности человека 3' от генного сегмента V_H1-2 человека, ~800 п.о. геномной последовательности мыши в 3'-направлении от гена ADAM6b мыши, ген ADAM6b мыши, ~4800 п.о. геномной последовательности в 5'-направлении от гена ADAM6b мыши, 5' сайт FRT, гигромициновую кассету, 3' сайт FRT, ~300 п.о. геномной последовательности мыши в 3'-направлении от гена ADAM6a мыши, ген ADAM6a ³⁵ мыши, ~3400 п.о. геномной последовательности мыши в 5'-направлении от гена ADAM6a мыши и 3' геномный фрагмент, содержащий ~30 т.н. геномной последовательности человека в 5'направлении от генного сегмента V_H6-1 человека (внизу на ФИГ.13).

[000377] Сконструированный клон ВАС (описанный выше) применяли для электропорации ЭС-клеток мыши, содержащих гуманизированный локус тяжелой цепи, ⁴⁰ для создания модифицированных ЭС-клеток с эктопически размещенной геномной последовательностью мыши, содержащей последовательности ADAM6a и ADAM6b мыши в гуманизированном локусе тяжелой цепи. Позитивные ЭС-клетки, содержащие указанный эктопический фрагмент генома мыши в гуманизированном локусе тяжелой цепи, идентифицировали с помощью количественной ПЦР с применением зондов ⁴⁵ TAQMAN™ (Lie and Petropoulos, 1998, Advances in quantitative PCR technology: 5'nuclease assays, Curr Opin Biotechnol 9(1):43-48). 5'- и 3'-области за пределами модифицированной части гуманизированного локуса тяжелой цепи проверяли с помощью ПЦР с применением праймеров и зондов внутри модифицированной области для подтверждения

присутствия эктопической геномной последовательности мыши в гуманизированном локусе тяжелой цепи, а также гигромициновой кассеты. Последовательность нуклеотидов 5'-вставки включала следующую последовательность, подтверждающую присутствие геномной последовательности тяжелой цепи человека в 5'-направлении от вставки и

5 сайта рестрикции I-CeuI (приведенного ниже в скобках), прилегающего к геномной последовательности мыши, в месте вставки: (CCAGCTTCAT TAGTAATCGT TCATCTGTGG TAAAAAGGCA GGATTGAAG CGATGGAAGA TGGGAGTACG GGGCGTTGGA AGACAAAGTG CCACACAGCG CAGCCTTCGT CTAGACCCCC GGGCTAACTA TAACGGTCCT AAGGTAGCGA G) GGGATGACAG ATTCTCTGTT

10 CAGTGCACTC AGGGTCTGCC TCCACGAGAA TCACCATGCC CTTTCTCAAG ACTGTGTTCT GTGCAGTGCC CTGTCAGTGG (SEQ ID NO:4). Последовательность нуклеотидов 3'-вставки на 3'-конце целевой области включала следующую последовательность, подтверждающую присутствие геномной последовательности мыши и сайта рестрикции PI-SceI (приведенного ниже в скобках), прилегающего к

15 геномной последовательности тяжелой цепи человека в 3' направлении от места вставки: (AGGGGTCGAG GGGGAATTTC ACAAAAGAAC AAGAAGCGGG CATCTGCTGA CATGAGGGCC GAAGTCAGGC TCCAGGCAGC GGGAGCTCCA CCGCGGTGGC GCCATTCAT TACCTCTTTC TCCGCACCCG ACATAGATAAAAGCTT) ATCCCCCACC AAGCAAATCC CCCTACCTGG GGCCGAGCTT CCCGTATGTG GGAAAATGAA

20 TCCCTGAGGT CGATTGCTGC ATGCAATGAA ATTCAACTAG (SEQ ID NO:5).

[000378] Таргетированные ЭС-клетки, описанные выше, применяли в качестве донорских ЭС-клеток и вводили в мышиные эмбрионы на стадии 8 клеток с помощью технологии получения мышей VELOCIMOUSE® (VELOCIMOUSE® mouse engineering method) (см., например, патенты США №76598442, №7576259, №7294754). Мышей, несущих гуманизированный локус тяжелой цепи, включающий эктопическую геномную последовательность мыши, содержащую последовательности ADAM6α и ADAM6β мыши, идентифицировали генотипированием с применением модифицированного аллельного анализа (Valenzuela et al., 2003), определяющего наличие генов ADAM6α и ADAM6β мыши в гуманизированном локусе тяжелой цепи.

25 [000379] Мышей, несущих гуманизированный локус тяжелой цепи, содержащий гены ADAM6α и ADAM6β мыши, скрещивают с мышами линии FLPe deleter (см., например, Rodriguez et al., 2000, High-efficiency deleter mice show that FLPe is an alternative to Cre-loxP. Nature Genetics 25:139-140) для устранения любой Frt-фланкированной гигромициновой кассеты, введенной посредством направленного вектора, не удаленной, например, на 35 стадии ЭС-клеток или эмбриона. Опционально, указанную гигромициновую кассету у мышей сохраняют.

30 [000380] Детенышей генотипируют, и детеныша, гетерозиготного по гуманизированному локусу тяжелой цепи, содержащему эктопический фрагмент генома мыши с последовательностями ADAM6α и ADAM6β, отбирают для исследования 40 характеристик экспрессии гена ADAM6 мыши и fertильности.

Пример 8

Исследование характеристик мышей с компенсацией функции ADAM6

45 [000381] Проточная цитометрия. Трех мышей возрастом 25 недель, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека ($H^{+/+} \kappa^{+/+}$) и трех мышей возрастом 18-20 недель, гомозиготных по тяжелой и к легкой цепям человека, у которых присутствует эктопический фрагмент генома мыши, кодирующий гены ADAM6α и ADAM6β мыши в составе обоих аллелей локуса тяжелой цепи человека ($H^{+/+} A6^{\text{res}} \kappa^{+/+}$), умершвляли для идентификации и анализа популяций клеток лимфоцитов

с помощью FACS в системе для проточной цитометрии BD LSR II System (BD Bioscience). Лимфоциты гейтировали по конкретным клеточным линиям и анализировали прогрессию по мере прохождения различных стадий развития В-клеток. Ткани, извлекаемые из животных, включали кровь, селезенку и костный мозг. Кровь отбирали в пробирки BD Microtainer с ЭДТА (BD Biosciences). Костный мозг извлекали из бедренных костей промыванием полной средой RPMI с добавлением эмбриональной телячьей сыворотки, пирувата натрия, HEPES, 2-меркаптоэтанола, заменимых аминокислот и гентамицина. Эритроциты из препаратов крови, селезенки и костного мозга лизировали лизирующим буфером на основе хлорида аммония (например, 10 лизирующим буфером ACK), с последующим промыванием полной средой RPMI.

[000382] Для окрашивания популяций клеток 1×10^6 клеток из различных тканей инкубировали с анти-мышиными CD16/CD32 (2.4G2, BD Biosciences) на льду в течение 10 минут с последующим мечением одним или комбинацией следующей смесь антител на протяжении 30 минут на льду.

[000383] Костный мозг: ФИТЦ-меченные против мышного CD43 (1B11, BioLegend), ФЭ-меченные ckit (2B8, BioLegend), PeCy7-IgM (II/41, eBioscience), PerCP-Cy5.5-IgD (11-26c.2a, BioLegend), APC-eFluor780-B220 (RA3-6B2, eBioscience), A700-CD19 (1D3, BD Biosciences).

[000384] Периферическая кровь и селезенка: ФИТЦ-меченные против к мыши (187.1, BD Biosciences), ФЭ-меченные λ (RML-42, BioLegend), PeCy7-IgM (II/41, eBioscience), PerCP-Cy5.5-IgD (11-26c.2a, BioLegend), APC-CD3 (145-2C11, BD), A700-CD19 (1D3, BD), APC-eFluor780-B220 (RA3-6B2, eBioscience). После инкубирования с меченными антителами клетки промывали и фиксировали в 2% формальдегиде. Регистрацию данных проводили на проточном цитометре LSRII и анализировали с помощью FlowJo (Treestar, Inc.).

25 Результаты для типовых мышей $H^{+/+}K^{+/+}$ и $H^{+/+}A6^{res}K^{+/+}$ показаны на ФИГ.14-18.

[000385] Результаты показывают, что В-клетки мышей $H^{+/+}A6^{res}K^{+/+}$ прогрессируют через стадии развития В-клеток сходным с клетками мышей $H^{+/+}K^{+/+}$ образом в костном мозге и периферических областях, и демонстрируют нормальные паттерны созревания, как только попадают на периферию. У мышей $H^{+/+}A6^{res}K^{+/+}$ мыши наблюдалось увеличение популяции $CD43^{int}CD19^+$ клеток по сравнению с мышами $H^{+/+}K^{+/+}$ (ФИГ.16В). Это может свидетельствовать о повышении экспрессии IgM из гуманизированного локуса тяжелой цепи, включающего эктопический фрагмент генома мыши, содержащий последовательности ADAM6α мыши и ADAM6β, у мышей $H^{+/+}A6^{res}K^{+/+}$. На периферии у мышей $H^{+/+}A6^{res}K^{+/+}$ обнаруживаются нормальные сходные с таковыми у мышей $H^{+/+}K^{+/+}$ популяции В- и Т-клеток.

[000386] Морфология семенников и характеристики спермы. Для определения того, 40 обусловлена ли бесплодность мышей с гуманизированными вариабельными локусами тяжелой цепи иммуноглобулина дефектами семенников и/или продуцирования спермы, исследовали морфологию семенников и содержание спермы в эпидидимисе.

[000387] Вкратце, семенники двух групп (n=5 на группу; группа 1: мыши, гомозиготные по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепей человека, $H^{+/+}K^{+/+}$; группа 2: мыши, гетерозиготные по локусам вариабельных генов тяжелой цепи человека и гомозиготные по локусам вариабельных генов к легкой цепи человека, $H^{+/+}K^{+/+}$) извлекали, оставляя интактным эпидидимис, и взвешивали. Затем образцы фиксировали, заливали парафином, изготавливали срезы и окрашивали гематоксилином-

эозином (HE). Срезы семенников (2 семенника/мышь, всего 20) исследовали на дефекты морфологии и признаки продуцирования спермы, а срезы эпидидимиса исследовали на присутствие спермы.

[000388] В этом эксперименте не обнаружено различий в массе или морфологии

⁵ семенников мышей $H^{+/+}K^{+/+}$ и $H^{/-}K^{+/+}$. Сперма обнаружена как в семенниках, так и в эпидидимисе для всех генотипов. Эти результаты доказывают, что отсутствие генов ADAM6a и ADAM6b мыши не приводит к детектируемым изменениям морфологии семенников, и что сперма продуцируется у мышей в присутствии и отсутствие указанных
¹⁰ двух генов. Таким образом, дефекты fertильности самцов $H^{+/+}K^{+/+}$, по-видимому, обусловлены низкими уровнями продуцирования спермы.

[000389] Подвижность и перемещение спермы. Мыши, у которых отсутствует другие члены семейства генов ADAM, бесплодны из-за дефектов подвижности или перемещения спермы. Перемещение спермы определяется как способность спермы передвигаться из матки в маточные трубы, и в норме необходимо для оплодотворения у мышей. Для определения, влияет ли на указанный процесс удаление мышиных ADAM6a и ADAM6b, оценивали способность к перемещению и подвижность спермы у мышей $H^{+/+}K^{+/+}$.

[000390] Вкратце, сперму получали из семенников (1) мышей, гетерозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой цепи человека и гомозиготных по локусам
²⁰ вариабельных генов к легкой цепи человека ($H^{/-}K^{+/+}$); (2) мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой цепи человека и гомозиготных по локусам вариабельных генов к легкой цепи человека ($H^{+/+}K^{+/+}$); (3) мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой цепи человека и гомозиготных по к легкой цепи
²⁵ дикого типа ($H^{+/+}mK$); и (4) мышей дикого типа C57 BL/6 (WT). При подсчете спермиев или оценке общей подвижности спермы при наблюдении не обнаружено значимых отклонений. У всех мышей наблюдалась дисперсия кумулюса, указывая на то, что каждый образец спермы был способен проникать через клетки кумулюса и связываться
³⁰ с zona pellucida *in vitro*. Эти результаты доказывают, что сперма мышей $H^{+/+}K^{+/+}$ способна проникать в кумулюс и связываться с zona pellucida.

[000391] Оплодотворение яйцеклетки мыши *in vitro* (IVF) осуществляли с применением спермы мышей согласно приведенному выше описанию. У мышей $H^{+/+}K^{+/+}$ на следующий день после IVF наблюдалось несколько меньшее число делящихся эмбрионов, а также пониженное количество связавшихся с яйцеклетками спермиев. Эти результаты
³⁵ доказывают, что сперма мышей $H^{+/+}K^{+/+}$ при контакте с яйцеклеткой способна проникать через кумулюс и связываться с zona pellucida.

[000392] В еще одном эксперименте с помощью анализа перемещения спермы определяли способность спермы мышей $H^{+/+}K^{+/+}$ перемещаться из матки и через
⁴⁰ маточные трубы.

[000393] Вкратце, первую группу мышей-самок с суперовуляцией (n=5) размещали с самцами $H^{+/+}K^{+/+}$ (n=5), а вторую группу мышей-самок с суперовуляцией (n=5)
⁴⁵ размещали с самцами $H^{/-}K^{+/+}$ (n=5). Наблюдали копуляции у пар, через пять-шесть часов после копуляции извлекали матку с присоединенными маточными трубами из всех самок и делали смывы для анализа. Смывы проверяли на наличие яйцеклеток для подтверждения овуляции и подсчитывали количество спермы. Перемещение спермы оценивали двумя различными способами. Во-первых, обе маточные трубы извлекали

из матки, делали смывы солевым раствором и подсчитывали всю замеченную сперму. Также отмечали присутствие яйцеклеток как подтверждение овуляции. Во-вторых, маточные трубы оставляли прикрепленными к матке и обе ткани фиксировали, заливали парафином, изготавливали срезы и окрашивали (согласно описаниям выше). Срезы исследовали на присутствие спермы, как в матке, так и в обеих маточных трубах.

[000394] У самок, спаривавшихся с пятью самцами $H^{+/+}K^{+/+}$, в смыве из маточных труб обнаруживалась очень незначительное количество спермы. В смывах из маточных труб самок, спаривавшихся с самцами $H^{-/-}K^{+/+}$, обнаружено приблизительно в 25-30 раз больше спермы (avg, n=10 маточные трубы), чем в смывах из маточных труб самок, спаривавшихся с самцами $H^{+/+}K^{+/+}$. Сравнение типового скрещивания мышей $H^{+/+}K^{+/+}$ и $H^{+/+}A6^{res}K^{+/+}$ приведено в Таблице 9.

[000395] Готовили гистологические срезы матки и маточных труб. Срезы исследовали на присутствие спермы в матке и маточных трубах (colliculus tubarius). Исследование гистологических срезов маточных труб и матки показало, что у мышей-самок, спаривавшихся с мышами $H^{+/+}K^{+/+}$, сперма обнаруживается в матке, но не в маточных трубах. Далее, на срезах от самок, спаривавшихся с мышами $H^{+/+}K^{+/+}$, видно, что сперма не обнаруживается в маточно-трубном сочленении (UTJ). На срезах от самок, спаривавшихся с мышами $H^{-/-}K^{+/+}$, сперма обнаружена в UTJ и в маточных трубах.

[000396] Эти результаты доказывают, что мыши, у которых отсутствуют гены ADAM α и ADAM β , продуцируют сперму, у которой наблюдается дефект подвижности *in vivo*. В любом случае, сперма обнаруживалась внутри матки, указывая на то, что копуляция и высвобождение спермы, очевидно, происходят нормальным образом, но в маточных трубах после копуляции обнаруживается небольшое количество спермы или вообще не обнаруживается сперма, что определяют либо подсчетом спермиев, либо при гистологическом исследовании. Эти результаты доказывают, что мыши, у которых отсутствуют гены ADAM α и ADAM β , продуцируют сперму, у которой наблюдается неспособность перемещаться из матки в маточные трубы. Указанный дефект, по-видимому, приводит к бесплодию, поскольку сперма не способна проходить через маточно-трубное сочленение в маточные трубы, где оплодотворяются яйцеклетки. Вместе все указанные результаты подтверждают гипотезу, что гены ADAM β мыши способствуют направленному перемещению спермы с нормальной подвижностью из матки через маточно-трубное сочленение и маточные трубы и, таким образом, достижению яйцеклетки с осуществлением успешного оплодотворения. Механизм, при помощи которого ADAM β это обеспечивает, может регулироваться одним или обоими белками ADAM β , либо координированной экспрессией других белков, например, других белков ADAM, в спермии, согласно приведенному ниже описанию.

Таблица 9

Генотип самцов	Скрещиваемые животные (Самцы/Самки)	Продолжительность периода разведения	Количество пометов	Потомство
$H^{+/+}K^{+/+}$	6/6	6 месяцев	2	25
$H^{+/+}A6^{res}K^{+/+}$	4/8	4 месяца	4	198

[000397] Экспрессия генов семейства ADAM. Известно, что комплекс белков ADAM присутствует в виде комплекса на поверхности созревающей спермы. Мыши, у которых отсутствует другие члены семейства генов ADAM, утрачивают указанный комплекс по мере созревания спермы, и у них наблюдается уменьшение количества различных белков

ADAM в зрелой сперме. Для определения возможного сходного влияния отсутствия генов ADAM α и ADAM β на другие белки ADAM, проводили вестерн-блоттинг белковых экстрактов из семенников (незрелая сперма) и эпидидимиса (созревающая сперма) для определения уровней экспрессии других члены семейства генов ADAM.

[000398] В этом эксперименте анализировали белковые экстракты из групп (n=4 на группу) мышей H $^{+/+}$ κ $^{+/+}$ и H $^{+/-}$ κ $^{+/+}$. Результаты показали, что экспрессия ADAM2 и ADAM3 не оказывала влияния на экстракты из семенников. Однако в экстрактах из эпидидимиса количество ADAM2, и ADAM3 существенно уменьшалось. Это указывает на то, что отсутствие ADAM α и ADAM β в сперме мышей H $^{+/+}$ κ $^{+/+}$ может оказывать непосредственный эффект на экспрессию и, возможно, функцию других белков ADAM по мере созревания спермы (например, ADAM2 и ADAM3). Это дает основание полагать, что ADAM α и ADAM β составляют часть белкового комплекса ADAM на поверхности спермы, что может быть критически важно для нормальной миграции спермы.

Пример 9

Использование вариабельных генов тяжелой цепи человека у мышей с компенсацией функции ADAM6

[000399] У мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и κ легкой цепи человека, у которых либо отсутствуют гены ADAM α и ADAM β мыши (H $^{+/+}$ κ $^{+/+}$), либо присутствует эктопический геномный фрагмент, кодирующий гены ADAM α и ADAM β мыши (H $^{+/+}$ A6^{res}κ $^{+/+}$), с помощью количественной ПЦР с применением зондов TAQMAN™ (согласно приведенному выше описанию) определяли частоту использования выбранных вариабельных генов тяжелой цепи человека.

[000400] Вкратце, CD19 $^+$ В-клетки выделяли из селезенок мышей H $^{+/+}$ κ $^{+/+}$ и H $^{+/+}$ A6^{res}κ $^{+/+}$ с применением микробус с CD19 мыши (Miltenyi Biotec), и общей РНК очищали с применением набора RNEASY™ Mini kit (Qiagen). Геномную РНК извлекали на колонке с применением не содержащей рибонуклеаз ДНКазы (RNase-Free DNase) (Qiagen). Приблизительно 200 нг иРНК обратно транскрибировали в κДНК с применением набора First Stand cDNA Synthesis kit (Invitrogen) и затем амплифицировали, используя смесь TAQMAN™ Universal PCR Master Mix (Applied Biosystems) с применением системы обнаружения последовательностей ABI 7900 (ABI 7900 Sequence Detection System) (Applied Biosystems). Относительную экспрессию каждого гена нормализовали по экспрессии константной области κ легкой цепи мыши (mCκ). В Таблице 10 приведены комбинации смысловых/антисмысловых/ТАQMAN™ MGB зондов, использованных в этом эксперименте.

Таблица 10

V _H Человека	Последовательность (5'-3')	SEQ ID NO:
V _H 6-1	Смысловая: CAGGTACAGCTGCAGCAGTCA	6
	Антисмысловая: GGAGATGGCACAGGTGAGTG	7
	Зонд: TCCAGGACTGGTGAAGC	8
V _H 1-2	Смысловая: TAGTCCCAGTGATGAGAAAGAGAT	9
	Антисмысловая: GAGAACACAGAACTGGATGAGATC	10
	Зонд: TGAGTCCAGTCCAGGGA	11
V _H 3-23	Смысловая: AAAAATTGAGTGTGAATGGATAAGAGTG	12
	Антисмысловая: AACCCCTGGTCAGAAACTGCCA	13
	Зонд: AGAGAACAGTGGATACGT	14
V _H 1-69	Смысловая: AACTACGCACAGAAGTCCAGG	15

	Антисмыловая: GCTCGTGGATTTGTCCGC Зонд: CAGAGTCACGATTACC	16 17
mCk	Смыловая: TGAGCAGCACCCCTCACGTT Антисмыловая: GTGGCCTCACAGGTATAGCTGTT Зонд: ACCAAGGACGAGTATGAA	18 19 20

5 [000401] В этом эксперименте в проанализированных образцах обнаружена экспрессия всех четырех генов человека V_H . Далее, уровни экспрессии были сопоставимы у мышей $H^{+/+} \kappa^{+/+}$ и $H^{+/+} A6^{\text{res}} \kappa^{+/+}$. Эти результаты показывают, что V_H гены человека, как дистальные относительно участка модификации (V_H3-23 и V_H1-69), так и проксимальные 10 относительно участка модификации (V_H1-2 и V_H6-1), способны к рекомбинации с образованием функционально экспрессируемой тяжелой цепи человека. Эти результаты показывают, что эктопический геномный фрагмент, содержащий последовательности ADAM6a и ADAM6b мыши, встроенные в геномную последовательность тяжелой цепи человека, не влияет на V(D)J рекомбинацию генных сегментов тяжелой цепи человека 15 внутри указанного локуса, и указанные мыши способны к рекомбинации генных сегментов тяжелой цепи человека нормальным образом с синтезом функциональных белков тяжелой цепи иммуноглобулина.

Пример 10

20 Гуморальный иммунный ответ у мышей с компенсацией функции ADAM6

[000402] У мышей, гомозиготных по локусам вариабельных генов тяжелой и к легкой цепи человека, у которых либо отсутствуют гены ADAM6a и ADAM6b мыши ($H^{+/+} \kappa^{+/+}$), либо присутствует эктопический геномный фрагмент, кодирующий гены ADAM6a и 25 ADAM6b мыши ($H^{+/+} A6^{\text{res}} \kappa^{+/+}$), определяли гуморальный иммунный ответ с применением мульти-антигенных схемы иммунизации с последующим выделением и характеризацией 25 антиител. Результаты сравнивали для определения какого-либо влияния на V(D)J-рекомбинацию, задействующую сегменты генов иммуноглобулина человека, оценки повышения титра в сыворотке, синтеза антител гибридомами и аффинности к антигену.

[000403] Протокол иммунизации. Для сравнительной иммунизации в группах мышей 30 применяли А-рецептор клеточной поверхности человека (Антиген А), специфичное к рецепторной тирозиновой протеинкиназе человека антитело человека (Антиген В), секрецируемый белок человека, участвующий в регуляции TGF-β сигнального пути (Антиген С) и рецепторную тирозинкиназу человека (Антиген D). Перед иммунизацией вышеуказанными антигенами у групп мышей брали сыворотку. Каждый антиген (по 35 2,3 мкг) вводили при начальной примирющей иммунизации в смеси с 10 мкг олигонуклеотида CpG в качестве адьюванта (Invivogen). Иммуноген вводили в подушечки лап в объеме 25 мкл на мышь. После этого мышей бустеризовали введением 40 в подушечки лап 2,3 мкг антигена, а также 10 мкг CpG и 25 мкг Adju-Phos (Brenntag) в качестве адьювантов на 3, 6, 11, 13, 17, и 20 день, в общей сложности шестью бустерными прививками. У мышей брали кровь на 15 и 22 день после четвертой и шестой бустерных 45 прививок, соответственно, и антисыворотки анализировали на титр антител к каждому конкретному антигену.

[000404] Титры антител определяли в сыворотке иммунизированных мышей с применением анализа ИФА. 96-луночные титрационные микропланшеты (Thermo 45 Scientific) покрывали соответствующим антигеном (2 мкг/мл) в солевом растворе с фосфатным буфером (ФСБ, Irvine Scientific) в течение ночи при 4°C. На следующий день планшеты промывали солевым раствором с фосфатным буфером, содержащим 0,05% ТВИН-20 (ФСБ-Т, Sigma-Aldrich) четырехкратно с применением устройства для

- отмычки планшетов (Molecular Devices). Затем планшеты блокировали 250 мкл 0,5% альбумина бычьей сыворотки (БСА, Sigma-Aldrich) в ФСБ и инкубировали на протяжении 1 часа при комнатной температуре. Затем планшеты промывали четырехкратно ФСБ-Т. Сыворотку от иммунизированных мышей и преиммунную сыворотку серийно разводили три раза в 0,5% БСА-ФСБ, начиная с 1:300 или 1:1000, и добавляли в блокированные планшеты в двух повторностях и инкубировали на протяжении 1 часа при комнатной температуре. Последние две ячейки оставляли пустыми для использования в качестве контроля для вторичных антител. Планшеты повторно промывали четырехкратно ФСБ-Т в устройстве для отмычки планшетов.
- 5 Козье анти-мышиное IgG-Fc с пероксидазой хрена (HRP, Jackson Immunoresearch) или козье анти-мышиное IgG-каппа-HRP-(Southern Biotech)конъюгированное вторичное антитело в разведении 1:5000/1:10000 добавляли в планшеты и инкубировали на протяжении 1 часа при комнатной температуре. Планшеты повторно промывали восьмикратно ФСБ-Т и обрабатывали с применением ТМВ/H₂O₂ в качестве субстрата.
- 10 15 Субстрат инкубировали в течение 20 минут и реакцию останавливали 2 N H₂SO₄ (VWR) или 1 N H₃PO₄ (JT Baker). Планшеты считывали на спектрофотометре (Victor, Perkin Elmer) на 450 нм. Титры антител подсчитывали с применением программного обеспечения Graphpad PRISM.

20 [000405] Титр в сыворотке рассчитывали как разведение сыворотки в пределах экспериментального диапазона титрования при сигнале связывания антигена, эквивалентном превышающему фоновый в два раза. Результаты гуморального иммунного ответа показаны на ФИГ.19 (Антиген А), ФИГ.20 (Антиген В), ФИГ.21 (Антиген С) и ФИГ.22 (Антиген D). Уровни антиген-положительных гибридом, полученных из двух селезенок, извлеченных из мышей каждой группы, иммунизированной выбранным антигеном, приведены в Таблице 11 (Показатель антигена соответствует 2Х/фон).

25 [000406] Как видно из этого Примера, титры антител, синтезируемых у мышей с компенсацией функции ADAM6 ($H^{+/+}A6^{res}\kappa^{+/+}$) были сопоставимы с таковыми синтезируемых у мышей, у которых отсутствовали ADMA_a и ADAM_b и присутствовали гуманизированная тяжелая цепь ($H^{+/+}\kappa^{+/+}$). Далее, селезенки мышей $H^{+/+}A6^{res}\kappa^{+/+}$ давали антиген-положительные гибридомы для всех протестированных антигенов, включая антитела с высокой аффинностью, на уровнях, сопоставимых с мышами $H^{+/+}\kappa^{+/+}$. Соответственно, предполагается, что у мышей с компенсацией функции ADAM6 не нарушена V(D)J-рекомбинация сегментов гена иммуноглобулина человека, учитывая синтез антител с высокой аффинностью, задействующий гены иммуноглобулина человека.

40 Таблица 11

40 Антиген	Линия мышей	Показатель антигена
A	$H^{+/+}A6^{res}\kappa^{+/+}$	76
A	$H^{+/+}A6^{res}\kappa^{+/+}$	32
B	$H^{+/+}\kappa^{+/+}$	4
B	$H^{+/+}\kappa^{+/+}$	12
B	$H^{+/+}A6^{res}\kappa^{+/+}$	41
B	$H^{+/+}A6^{res}\kappa^{+/+}$	95

45 Пример 11

Определение антигенсвязывающей способности

[000407] Аффинность антител, демонстрирующих специфическое связывание с

Антигеном В, отслеживали с применением биосенсора на основе поверхностного плазмонного резонанса в реальном времени (BIAcore 2000). Для скрининга BIAcore использовали кондиционированные среды от гибридом, выделенных из мышей двух линий, иммунизированных Антигеном В ($H^{+/+} \kappa^{+/+}$ и $H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$). Сначала поверхность сенсора BIAcore дериватизировали поликлональным кроличьим анти-мышиным антителом (GE) для захвата анти-Антиген В антител из кондиционированной среды. На протяжении всего процесса скрининга в качестве подвижного буфера применяли HBST (0,01 М HEPES pH 7.4; 0,15М NaCl; 3мМ ЭДТА; 0,005 об.% сурфактанта P20). Fab фрагмент Антигена В инжектировали на поверхность с захваченным анти-Антиген В антителом со скоростью 50 мкл/мин в концентрации 100 нМ. Связывание антиген-антитело отслеживали на протяжении трех минут, а диссоциацию антигена и захваченного антитела отслеживали на протяжении пяти минут в подвижном буфере HBST. Эксперимент проводили при 25°C. Константы скорости связывания (k_a) и скорости диссоциации (k_d) определяли с помощью обработки и приведения данных к 1:1 модели связывания с применением программного обеспечения для аппроксимации кривых Scrubber 2.0. Константы равновесия при диссоциации связей (K_D) и время полужизни при диссоциации ($T_{1/2}$) вычисляли из констант скорости реакции как: K_D (М) = k_d/k_a ; и $T_{1/2}$ (мин) = $(\ln 2)/(60 * k_d)$. Результаты для отобранных анти-Антиген В антител показаны в Таблице 12.

Таблица 12

Антитело	Линия мышей	K_D (М)	$T_{1/2}$ (мин)
5D6	$H^{+/+} \kappa^{+/+}$	1.62E-08	3
8G10	$H^{+/+} \kappa^{+/+}$	1.20E-08	5
10F10	$H^{+/+} \kappa^{+/+}$	1.09E-08	3
1F5	$H^{+/+} \kappa^{+/+}$	1.00E-07	0,3
10G8	$H^{+/+} \kappa^{+/+}$	1.47E-07	0,3
1B11	$H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$	1.98E-08	6
2D9	$H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$	9.40E-10	51
4D11	$H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$	5.60E-08	0,8
6C5	$H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$	1.10E-09	188
35 6F4	$H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$	1.35E-08	3
7C4	$H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$	2.00E-06	0,05
8G12	$H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$	2.31E-09	19
9B12	$H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$	3.47E-09	13
10B4	$H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$	3.60E-09	23
40 11E7	$H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$	3.06E-08	2
11E12	$H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$	2.70E-07	0,1
1E4	$H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$	7.00E-10	58
4D2	$H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$	5.80E-10	150
45 5H6	$H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$	2.60E-09	3
5H10	$H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$	6.00E-09	70
9A9	$H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$	3.80E-09	12
11C11	$H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$	1.55E-09	38
12C10	$H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$	5.90E-09	16

12G7	$H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$	9.00E-08	7
12G9	$H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$	3.32E-09	12

[000408] В сходном эксперименте кинетику связывания различных моноклональных антител, присутствующих в кондиционированных гибридомных средах, с Антигеном А определяли с применением биосенсорного анализа на основе поверхностного плазмонного резонанса в реальном времени (BIAcore 4000). Все клоны гибридом, применяемые для этого анализа, синтезировались мышами $H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$.

[000409] Вкратце, для захвата Антиген А-специфичных антител сначала

иммобилизировали на сенсорном чипе поликлональное кроличье анти-мышиное антитело (GE Catalog# BR-1008-38). Проводили скрининг BIAcore в двух разных буферах - PBSP с pH7.2 и PBSP с pH6.0. В оба буфера добавляли по 0,1 мг/мл БСА. После захвата анти-Антиген А антител из кондиционированной среды 1 мкМ мономера Антигена А (приготовленного в соответствующем подвижном буфере) инжектировали на поверхность с захваченными антителами в течение 1,5 минут со скоростью 30 мкл/мин и отслеживали диссоциацию связанного мономера Антигена А в течение 1,5 минут в соответствующем подвижном буфере при 25°C. Константы скорости связывания (ka) и диссоциации (kd) определяли обработкой и приведению данных к 1:1 модели связывания с применением программного обеспечения для аппроксимации кривых Scrubber 2.0. Константы равновесия при диссоциации связей (K_D) и время полужизни при диссоциации ($T_{1/2}$) подсчитывали из констант скорости реакции как: $K_D (M) = kd/ka$; и $T_{1/2} (\text{мин}) = (In2/(60*kd))$. В Таблице 13 приведены параметры кинетики связывания для связывания выбранного анти-Антиген А антитела с мономером Антигена А при pH7.2 и pH6.0. NB: связывания не обнаружено в рассматриваемых экспериментальных условиях.

Таблица 13

Антитело	pH 7.2		pH 6.0	
	$K_D (M)$	$T_{1/2} (\text{мин})$	$K_D (M)$	$T_{1/2} (\text{мин})$
1D7	3.89E-10	25	9.45E-10	17
2B4	NB	NB	NB	NB
2B7	3.90E-09	1,2	2.98E-09	2
2F7	2.36E-10	144	2.06E-11	1882
3A7	NB	NB	6.42E-10	17
3F6	NB	NB	NB	NB
4A6	1.91E-09	2	2.12E-09	2
4C4	NB	NB	NB	NB
4E12	2.69E-10	16	2.03E-10	18
5C11	1.68E-09	3	2.31 E-09	3
5D10	NB	NB	4.56E-09	2
5E7	NB	NB	NB	NB
5F10	NB	NB	NB	NB
5F11	8.18E-10	8	6.79E-10	7
5G4	3.55E-10	15	7.42E-11	53
5G9	6.39E-10	15	4.31E-10	21
5H8	4.73E-10	15	NB	NB
6D2	NB	NB	NB	NB
6D3	2.88E-10	14	8.82E-11	39
6E4	NB	NB	2.67E-09	4
6E6	1.37E-09	10	1.30E-09	14
6H6	NB	NB	NB	NB
7A12	NB	NB	NB	NB
7C3	NB	NB	NB	NB

	7E8	4.38E-10	22		2.63E-10	34
	7F10	NB	NB		NB	NB
	7G9	NB	NB		NB	NB
	8B8	NB	NB		NB	NB
5	8B11	NB	NB		NB	NB
	8C3	NB	NB		NB	NB
	8E9	NB	NB		NB	NB
	8G3	NB	NB		NB	NB
	8H3	NB	NB		NB	NB
	8H4	3.70E-07	0,1		NB	NB
10	8H8	NB	NB		NB	NB
	1A8	2.30E-09	4		7.40E-10	6
	1B6	NB	NB		NB	NB
	1C6	NB	NB		NB	NB
	1C12	NB	NB		NB	NB
	1D2	NB	NB		NB	NB
15	1E2	1.17E-09	42		3.08E-09	29
	1E3	5.05E-10	89		8.10E-10	57
	1E6	1.97E-08	3		1.84E-08	3
	1E9	1.14E-09	30		1.14E-09	25
	1H6	2.93E-09	14		9.87E-10	25
20	2H9	2.30E-08	2		1.91E-08	2
	3A2	1.15E-10	44		1.25E-10	33
	3A4	1.70E-10	31		1.44E-10	30
	3D11	NB	NB		1.58E-08	1
	3H10	2.82E-09	20		2.59E-09	15
	4B6	7.79E-10	6		6.36E-10	7
	4H6	9.18E-11	62		1.20E-10	43
25	5A2	NB	NB		7.04E-10	12
	5C5	8.71E-11	49		7.02E-11	48
	5F6	6.16E-11	114		5.46E-11	121

[000410] Как показано выше, антитела с высокой аффинностью получали и от $H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$, и от $H^{+/+} \kappa^{+/+}$ мышей аналогичным способом. Из 25 антител, 30 представленных в Таблице 12, у двадцати, синтезированных $H^{+/+} A6^{res} \kappa^{+/+}$ мышами, наблюдался диапазон аффинности от 0,5 нМ до 1 мкМ, в то время как у пяти, синтезированных $H^{+/+} \kappa^{+/+}$ мышами, наблюдался диапазон аффинности от 10 нМ до 150 нМ. Далее, у 25 антител, приведенных в Таблице 13, наблюдался диапазон аффинности 35 от 20 пМ до 350 нМ в отношении связывания с мономером Антигена А.

[000411] Как видно из этого Примера, повторное встраивание генов Adam6 мыши в локус тяжелой цепи гуманизированного иммуноглобулина не нарушает способность мышей давать мощный иммунный ответ на разнообразные антигены, характеризующийся репертуарами антител человека с различной аффинностью в 40 субнаномолярном диапазоне, полученных из генных сегментов человека, реаранжированных из сконструированной зародышевой линии.

Формула изобретения

1. Мышь, генетически модифицированная с образованием последовательностей 45 вариабельной области иммуноглобулина человека и для улучшения или восстановления фертильности указанной мыши и/или ее потомства, генетические модификации указанной мыши обеспечивают:

а) эктопическое расположение гена ADAM6, при этом расположение на хромосоме

гена ADAM6 таково, что происходит экспрессия указанного гена, что приводит к улучшению или восстановлению fertильности у мышей-самцов; и

5 б) модифицированный локус вариабельной области тяжелой цепи иммуноглобулина, при этом указанный модифицированный локус вариабельной области тяжелой цепи иммуноглобулина содержит вставку одного или более сегментов гена V_H человека, одного или более сегментов гена D_H человека и одного или более сегментов гена J_H человека в эндогенный локус тяжелой цепи иммуноглобулина.

10 2. Мыши по п. 1, отличающаяся тем, что указанная модификация указанного локуса вариабельной области тяжелой цепи иммуноглобулина уменьшает или элиминирует активность ADAM6 в клетке или ткани самца мыши.

3. Мыши по п. 1, отличающаяся тем, что указанный ген ADAM6 присутствует в модифицированном локусе вариабельной области тяжелой цепи.

4. Мыши по п. 1, отличающаяся тем, что указанный ген ADAM6 присутствует в положении, отличном от модифицированного локуса вариабельной области тяжелой цепи.

15 5. Мыши по п. 1, отличающаяся тем, что указанный ген ADAM6 включает ADAM6a мыши и/или ADAM6b мыши.

6. Мыши по п. 1, отличающаяся тем, что указанные один или более генных сегментов V_H человека включают по меньшей мере 18, по меньшей мере 39 или по меньшей мере 20 генных сегментов V_H человека.

20 7. Мыши по п. 1, отличающаяся тем, что указанный модифицированный локус вариабельной области тяжелой цепи иммуноглобулина содержит по меньшей мере 18 генных сегментов V_H человека, по меньшей мере один и максимум 27 генных сегментов D_H человека и по меньшей мере один и максимум шесть генных сегментов J_H человека.

25 8. Мыши по п. 1, отличающаяся тем, что указанный модифицированный локус вариабельной области тяжелой цепи иммуноглобулина содержит по меньшей мере 39 генных сегментов V_H человека, по меньшей мере один и максимум 27 генных сегментов D_H человека и по меньшей мере один и максимум шесть генных сегментов J_H человека.

30 9. Мыши по п. 1, отличающаяся тем, что указанный модифицированный локус вариабельной области тяжелой цепи иммуноглобулина содержит 80 генных сегментов V_H человека, по меньшей мере один и максимум 27 генных сегментов D_H человека и по меньшей мере один и максимум шесть генных сегментов J_H человека.

35 10. Мыши по п. 1, отличающаяся тем, что указанные один или более генные сегменты V_H человека, один или более генные сегменты D_H человека и один или более генные сегменты J_H человека функционально связаны с геном константной области.

40 11. Мыши по п. 10, отличающаяся тем, что указанный ген константной области представляет собой ген константной области мыши.

12. Мыши по п. 11, отличающаяся тем, что указанный ген константной области мыши содержит константную область, выбранную из CH_1 , шарнирной области, CH_2 , CH_3 и/или CH_4 либо их комбинации.

45 13. Мыши по п. 1, у которой дополнительно присутствует один или более генных сегментов V_K человека и один или более генных сегментов J_K человека.

14. Мыши по п. 13, отличающаяся тем, что указанные один или более генных сегментов V_K человека и один или более генных сегментов J_K человека находятся в эндогенном локусе легкой цепи к иммуноглобулину.

15. Выделенная клетка мыши по п. 1 для получения мыши по любому из пп. 1-14, причем указанная выделенная клетка содержит эктопично расположенный ген ADAM6 согласно этапу а) и указанный модифицированный локус вариабельной области тяжелой цепи иммуноглобулина согласно этапу б).

⁵ 16. Выделенная клетка по п. 15, отличающаяся тем, что указанная клетка представляет собой эмбриональную стволовую клетку.

17. Выделенная клетка мыши по п. 1 для получения гибридомы, при этом указанная клетка представляет собой В-клетку.

¹⁰ 18. Эмбрион мыши для получения мыши по любому из пп. 1-14, при этом указанный эмбрион содержит эмбриональную стволовую клетку по п. 16.

19. Гибридома для получения антитела или его фрагмента, полученная из В-клетки по п. 17.

20. Способ получения антитела, специфичного в отношении представляющего интерес антигена, включающий следующие этапы:

¹⁵ (а) иммунизацию мыши по п. 1 представляющим интерес антигеном;

(б) выделение из указанной мыши по меньшей мере одной клетки, которая синтезирует антитело, специфичное в отношении указанного антигена; и

(с) культивирование указанной по меньшей мере одной клетки, синтезирующей антитело согласно этапу (б) и получение указанного антитела.

²⁰ 21. Способ по п. 20, отличающийся тем, что культивирование на этапе (с)

осуществляют в отношении по меньшей мере одной гибридомной клетки, происходящей из по меньшей мере одной клетки, полученной на этапе (б).

22. Способ по п. 20, отличающийся тем, что указанная по меньшей мере одна клетка, выделенная на этапе (б), происходит из селезенки, лимфатического узла или костного

²⁵ мозга мыши согласно этапу (а).

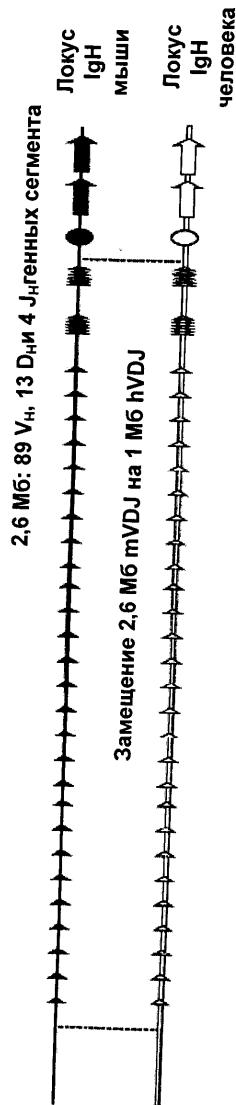
23. Способ по п. 20, отличающийся тем, что иммунизацию представляющим интерес антигеном на этапе (а) проводят белком, ДНК, комбинацией ДНК и белка или клетками, экспрессирующими указанный антиген.

30

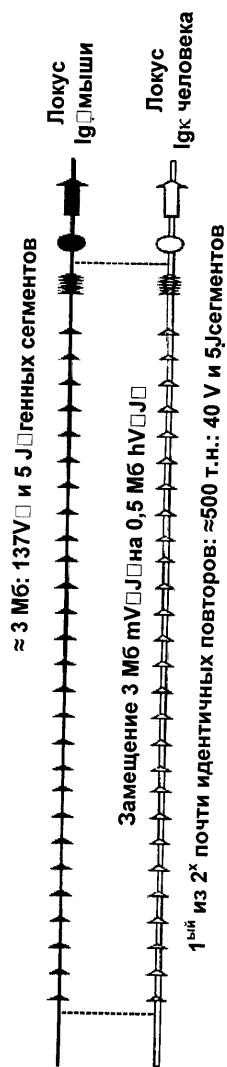
35

40

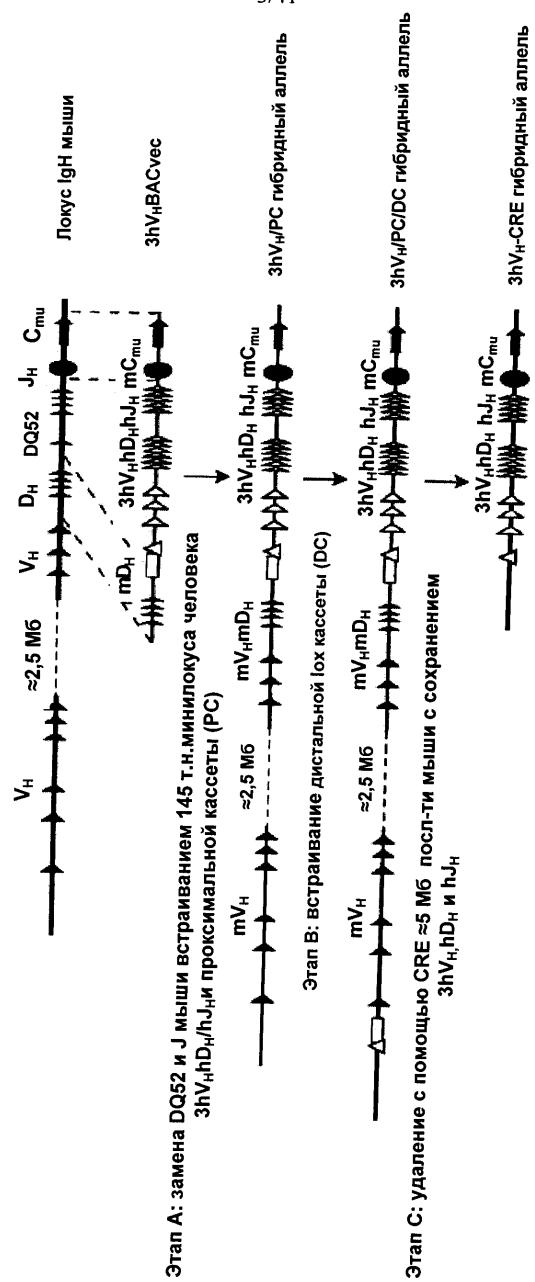
45



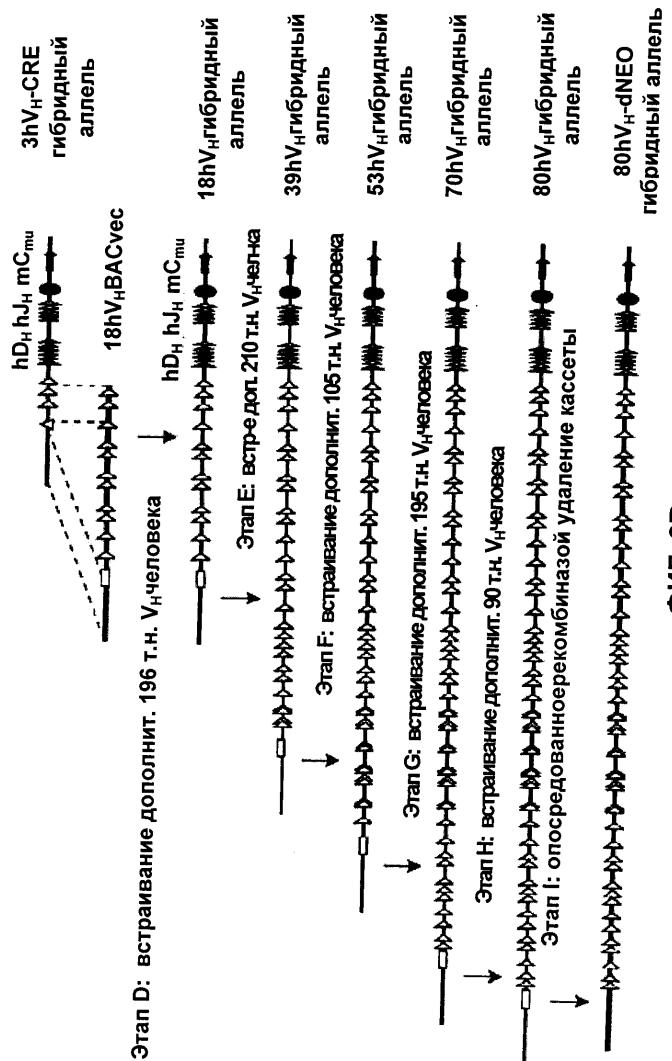
ФИГ. 1А



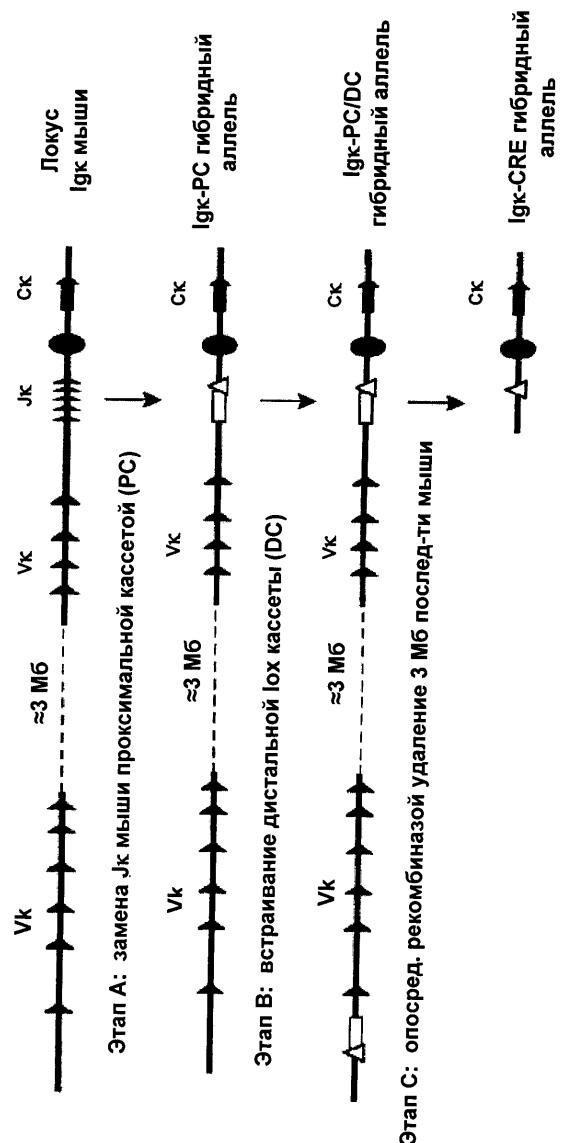
ФИГ. 1В



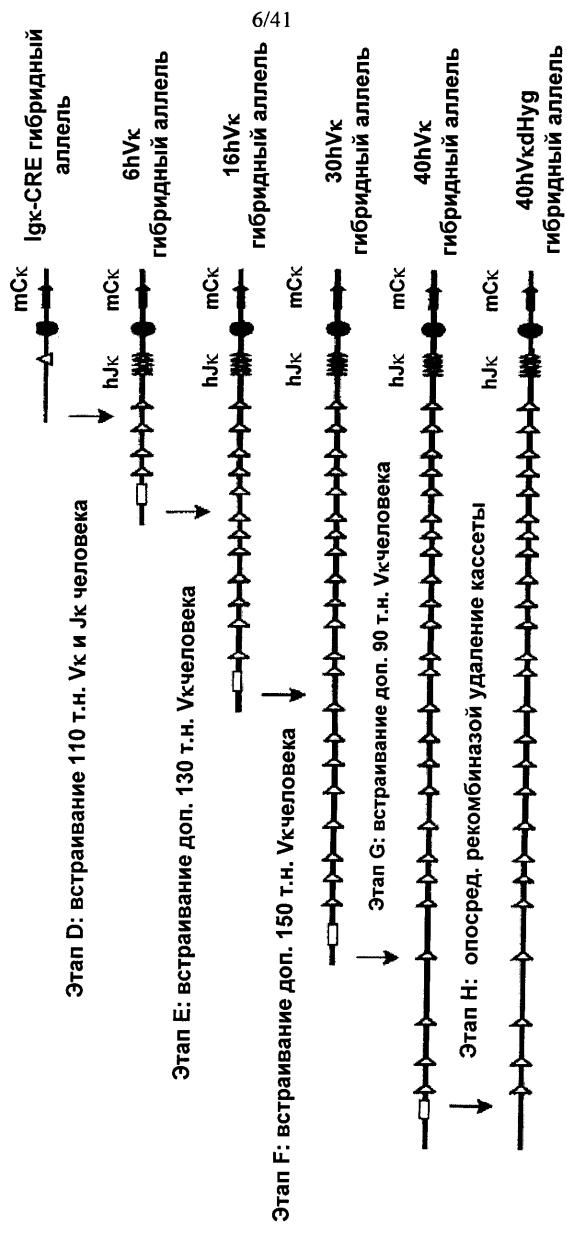
ФИГ. 2А



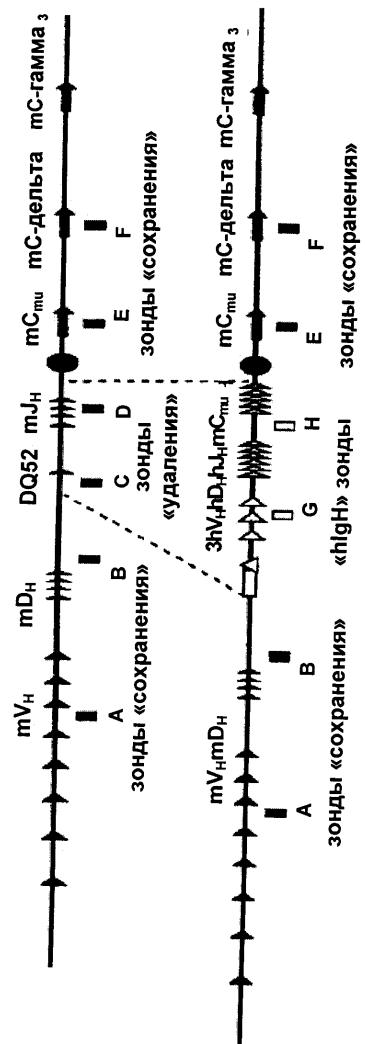
ФИГ. 2В



ФИГ. 2С



ФИГ. 2D



ФИГ. ЗА

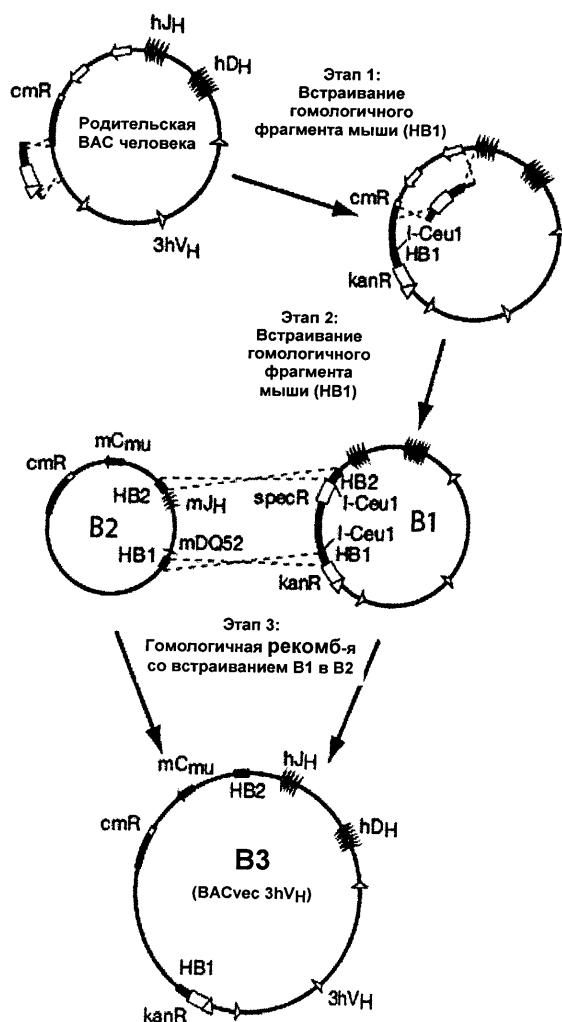
		A	B	C	D	E	F	G	H
Родительские ЭС-клетки	Теоретическое число копий	2	2	2	2	2	2	0	0
	Регистрируемое число копий	1,9	1,8	2,1	1,8	1,9	1,8	<0,01	<0,04
Модифицированные ЭС-клетки	Теоретическое число копий	2	2	1	1	2	2	1	1
	Регистрируемое число копий	1,9	2,4	1,0	1,0	2,0	1,9	+	+

ФИГ. 3В

	число копий	D	H
Мыши WT	Теоретич.	2	0
	Регистрируемое 1	1,71	<0,01
	Регистрируемое 2	2,07	<0,01
	Регистрируемое 3	2,16	<0,01
	Регистрируемое т. 4	1,88	<0,01
Мыши Het	Теоретич.	1	1
	Регистрируемое 1	1,22	1,04
	Регистрируемое 2	0,94	1,02
	Регистрируемое 3	0,85	0,95
	Регистрируемое 4	1,02	1,00
Мыши Homo	Теоретич.	0	2
	Регистрируемое 1	<0,01	2,37
	Регистрируемое 2	<0,01	2,22
	Регистрируемое 3	<0,01	2,43
	Регистрируемое 4	<0,01	1,93

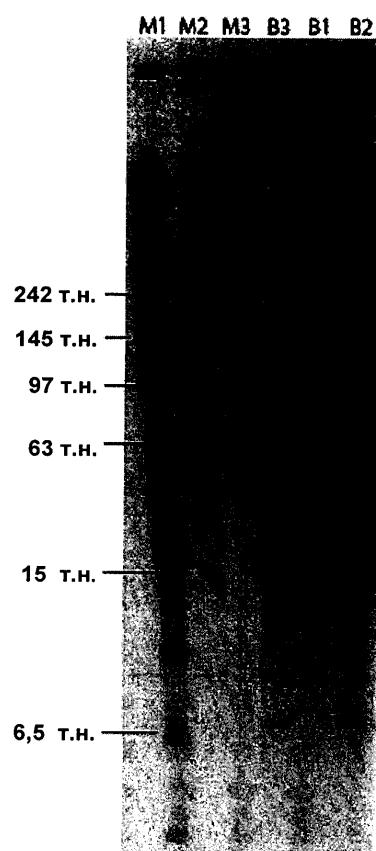
ФИГ. ЗС

10/41



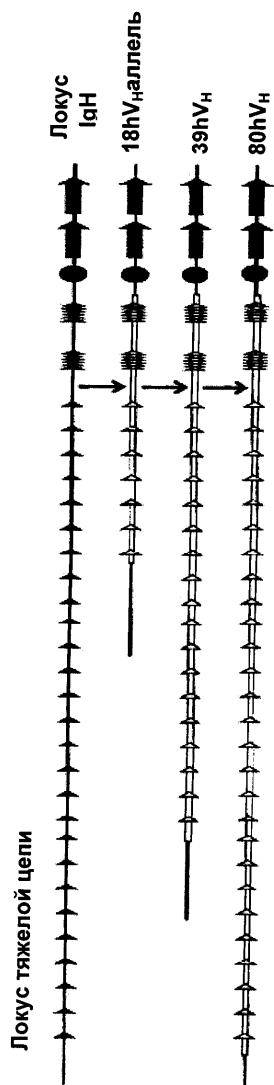
ФИГ. 4А

11/41



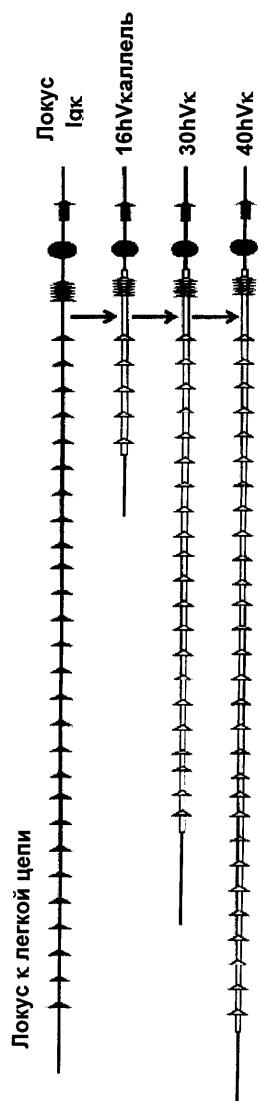
ФИГ. 4В

12/41



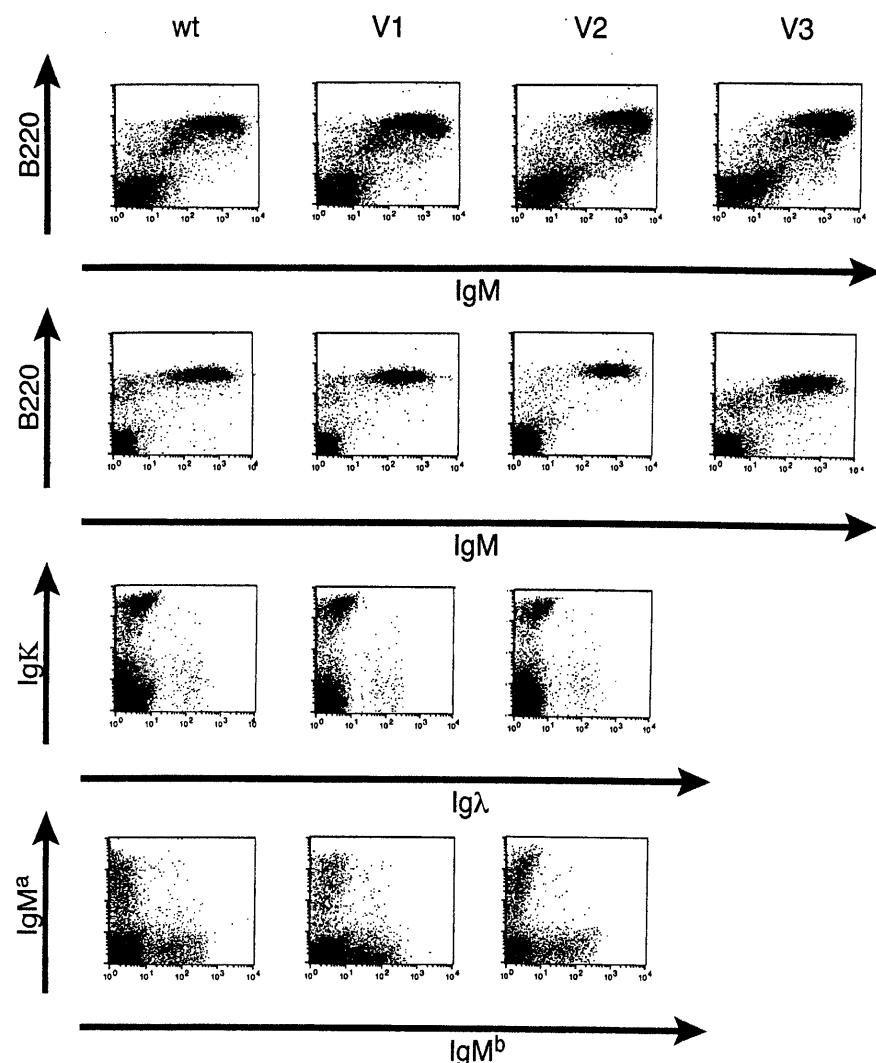
ФИГ. 5А

13/41



ФИГ. 5В

14/41



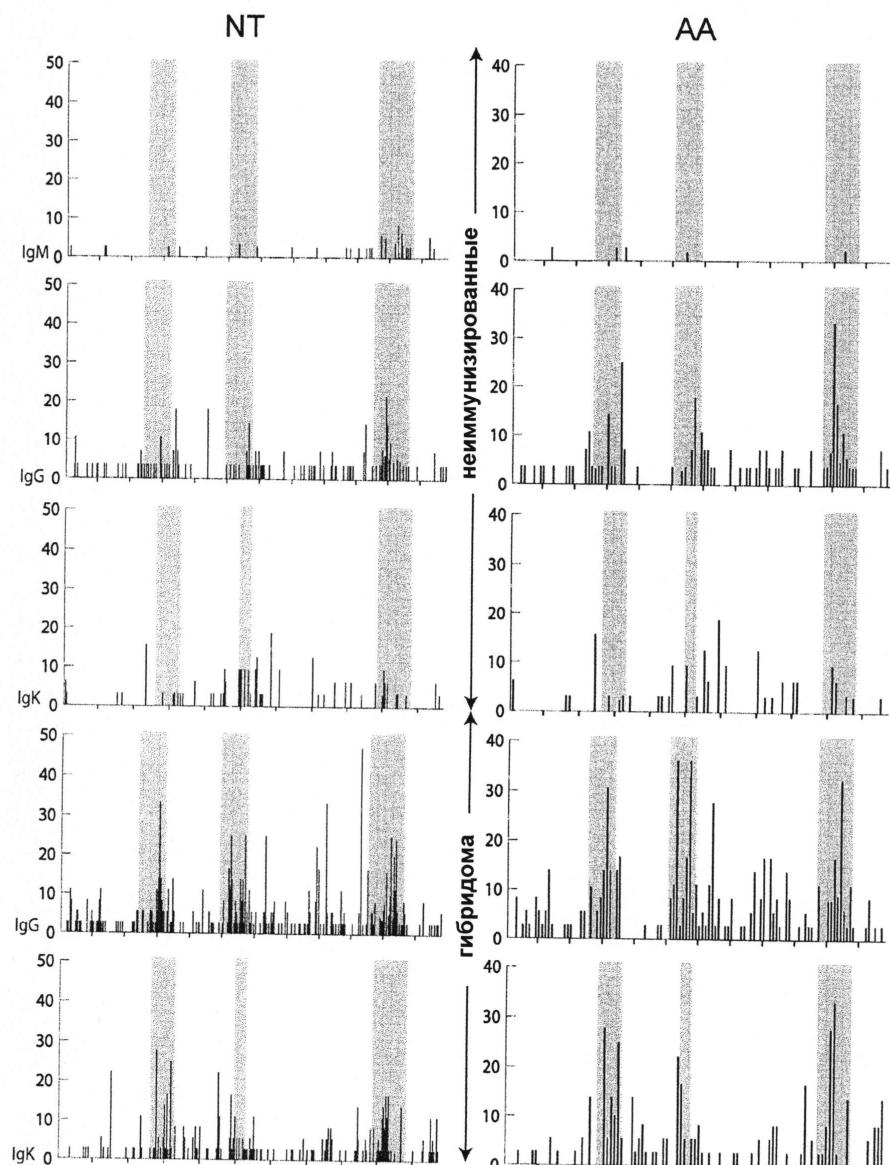
ФИГ. 6

3'V_H	N	D_H	N	5' J_H
(3-72) GCTAG	(D _H 1-26)	GGTATAGTGGGAGCTACTAC	AGGC	
(3-9) GCAAAC	CCCAGGGG	TAGTGGGgCTAC	ACCT	CTTTTGATATC (3)
(3-7) GCGAGAGA	G	AGTGGGAGCTACTAC	GAGG	ATGGCTTTGATATC (3)
(4-59) GCGAGAG	GGAC	GGTATAGTGGGAactACT	CCT	ACTTTGATATC (4)
(3-23) GCGAAA	CC	ACTGGGAGC	C	CTTTGACTAC (4)
		TAGTGGGAGCTACT		CTGGTTGACCCC (5)
(4-34) GCGAGAGG	AGGAG	GGTATAACTGGAACTAC	CGA	
(1-2) GCGAGAG	GA	GGTATAACTGGAACT		ATGGTTTTGATATC (3)
(3-23) GCGAAAGA		TATAACTGGAA		ACTACTTGACTAC (4)
(3-7) GCGAGAGA	G	GTATAACTGGAAACCAC	TGG	TACTTTGACTAC (4)
(4-59) GCGAG	GGGA	ATAACTGGAAC	CCC	CTTTTGACTAC (4)
(4-39) GCGAGA	GG	TATAACTGGAACT	TTTCCTTT	TTTGACTAC (4)
		TAACTGGAACT	CTCTGGG	CTTTGACTAC (4)
(D _H 3-10)		GTATTACTATGGTICGGGAGTATTATAAC	CTC	
(3-30) GCGA	AAAGGGC	TACTATGGTICGGGGAG		TTGACTAC (4)
(1-2) GCGAGAGA		TATTACTATGGTICGGGGAGTATTATAAC	GAAGGT	CTACGGTATGGACGTC (6)
(1-2) GCGAGAGA	(D _H 6-6)	GAGTATAGCAAGCTCGTCC		
(3-48) GCGAGA	GA	GTATAGCAAG		CTTTGACTAC (4)
(3-13) GCAAGAGA	GG	GAGTATAGCAAGCTCGT	TG	TGACTAC (4)
		ATAGGAGCTGCC	CTCGGG	TACTTTGACTAC (4)
(D _H 7-27)		CTAACTGGGGA		
(3-7) GCGAGAGA	TCT	TGGGGA	AGG	CTAC (4)
(3-15) ACCAC	CCA	TAACTGGGGA	GGG	TTTGACTAC (4)
(3-48) GCGAGA	GATA	GGGGA	CGG	CGG (5)

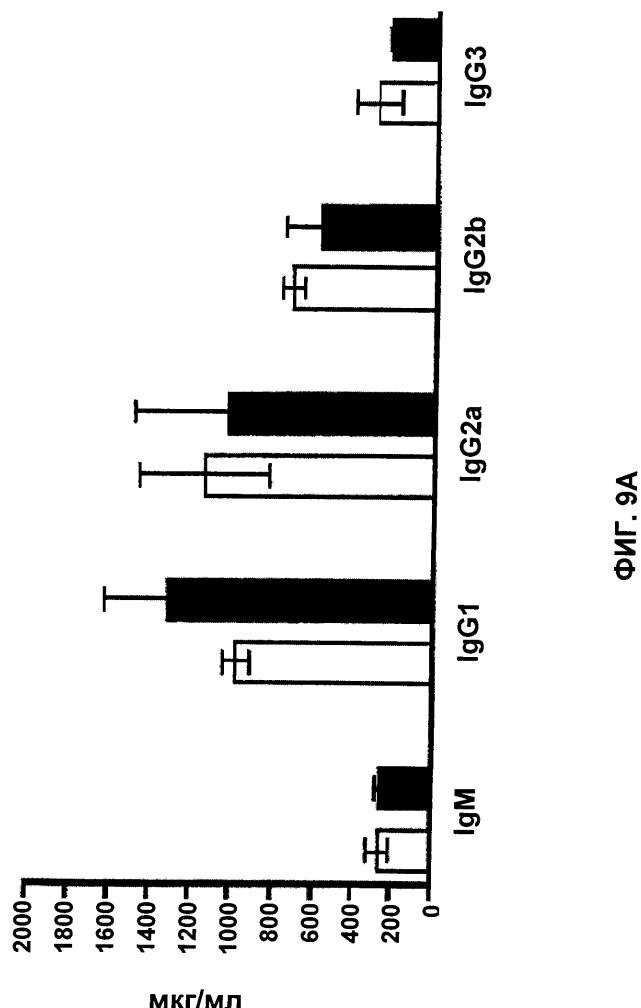
ФИГ. 7А

	<i>3'Vκ</i>	<i>N</i>	<i>5'Jκ</i>
(1-6)	CAACAGAGTTAATGTACCCCTCC	GGA	GACG (1)
(1-9)	CAACAGCTTAATAGTTACCCCTC		GGACG (1)
(1-9)	CAACAGCTTAATAGTTTACCC		ATTCACT (3)
(1-9)	CAACATTAAATAGTTACCC		GCTCACT (4)
(3-15)	CAGCGAGATAATAACTGGCCTC		TCACT (4)
(1-17)	CTACAGCATAATAGTTACCC		GTGGACG (1)
(1-17)	CTACAGCATAATAGTTACCCCTC		GGACG (1)
(3-20)	CAGCAGTATGGTAGCTCACCTC		GGACG (1)
(2-30)	ATGCAAGGTACACACTGGCC		GTGGACG (1)
(2-30)	ATGCAAGGTtCACACTGGCC		GTACACT (2)
(2-30)	ATGCAAGGTACACACTGGCC		GCTCACT (4)
(1-33)	CAACAGTATGATAATCTCCCTCC		CACT (3)
(1-33)	CAACAGTATGATAATCTCCCC		ATTCACT (3)
(1-33)	CAACAGTATGATAATCTCCCC	CG	TCACT (4)
(1-33)	CAACAGTATGATAATCTCCCC		GATCACC (5)
(1-37)	CAACGGATTACAATGCC	GA	CACC (5)
(1-39)	CAACAGAGTTACAGTACCCCC	CA	TGTACACT (2)
(1-39)	CAACAGAGTTACAGTACCCCTC		TCACT (4)
(1-39)	CAACAGAGTTACAGTACTCCCTCC		CACT (4)

ФИГ. 7В

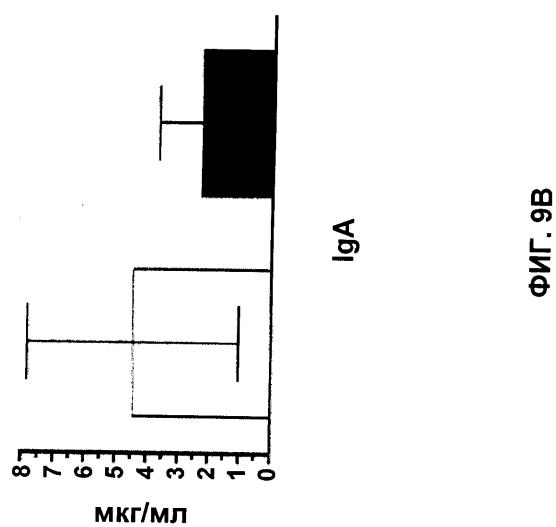


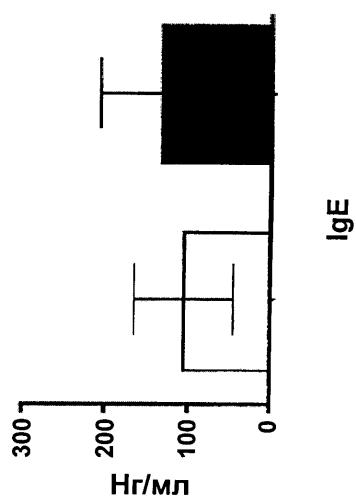
ФИГ. 8



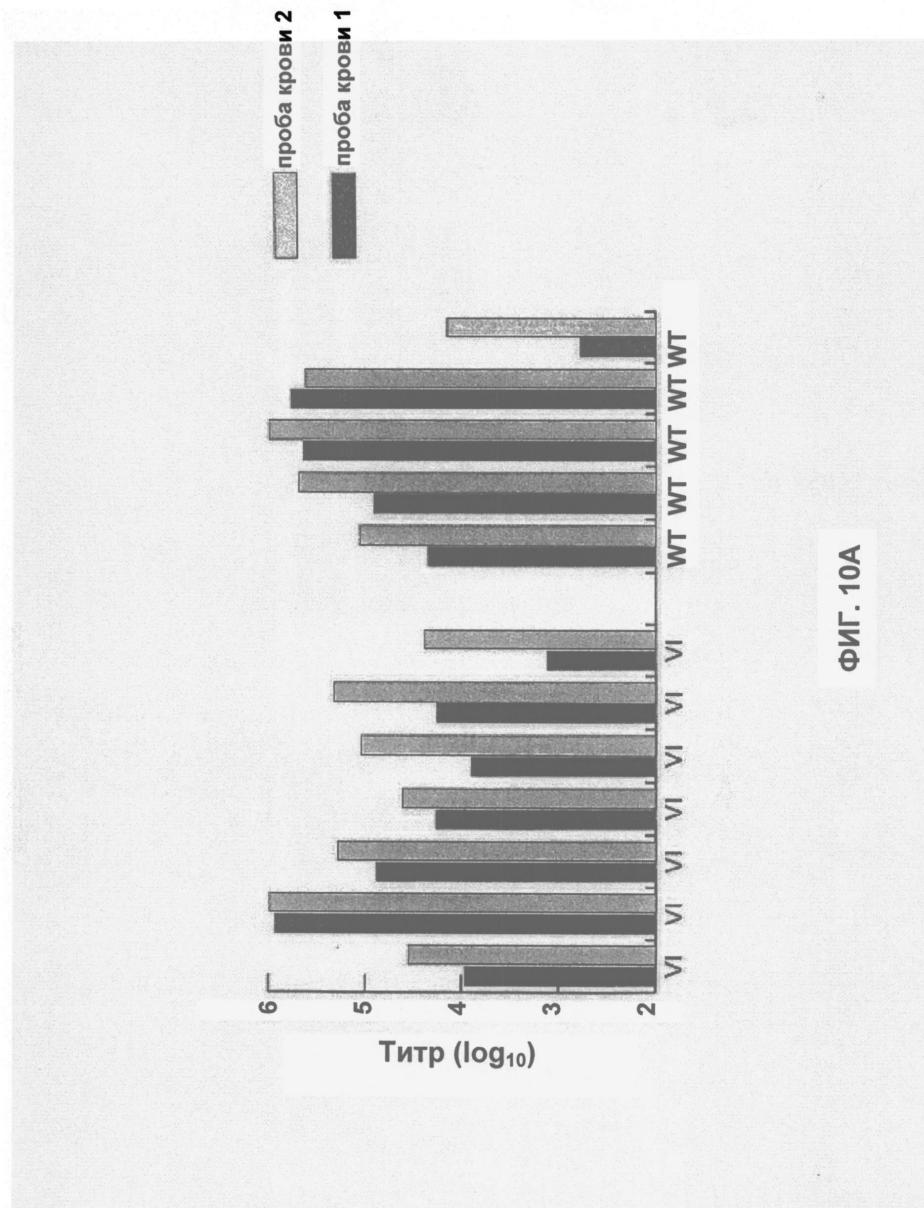
ФИГ. 9А

19/41

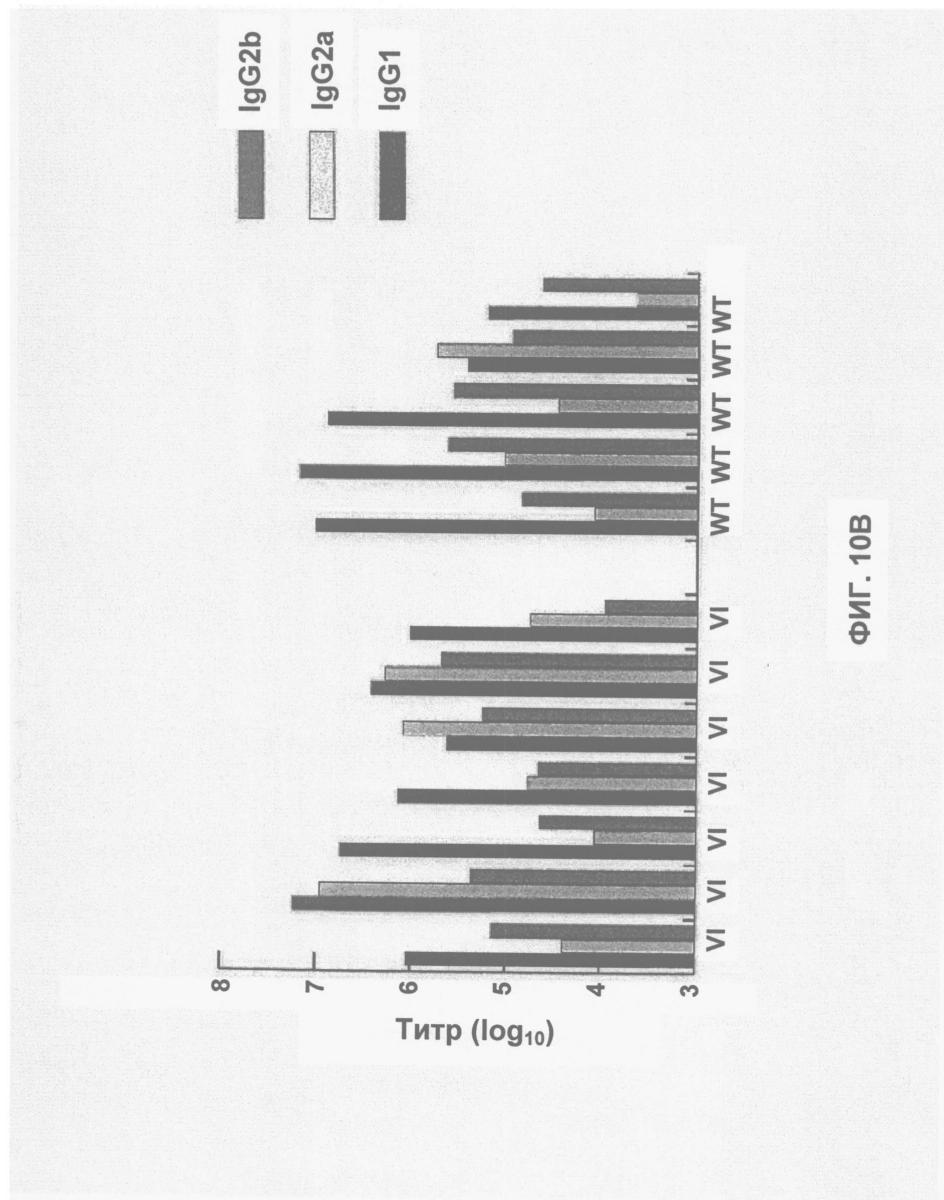




ФИГ. 9С

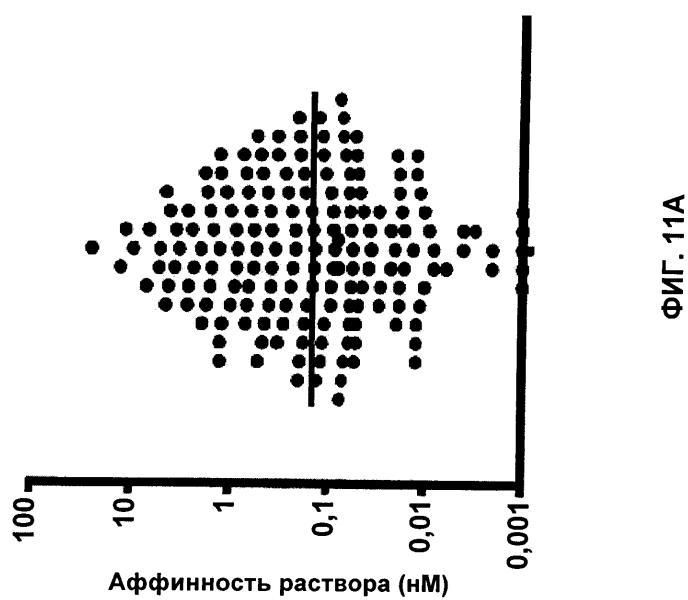


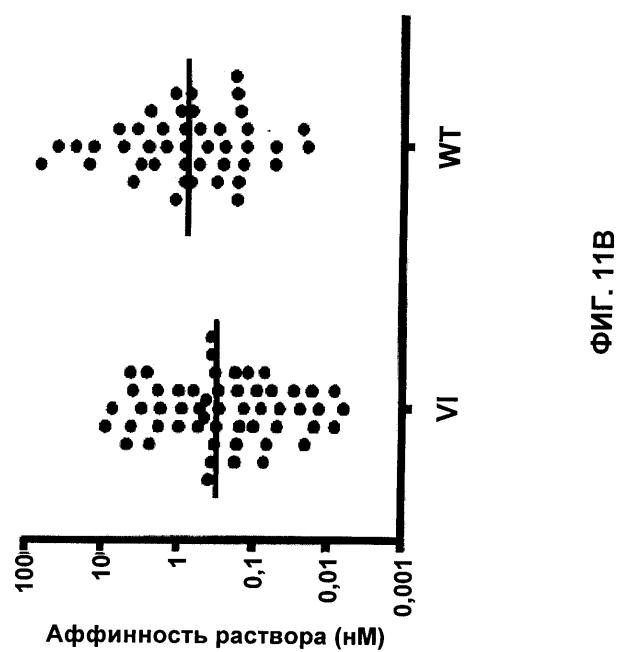
ФИГ. 10А

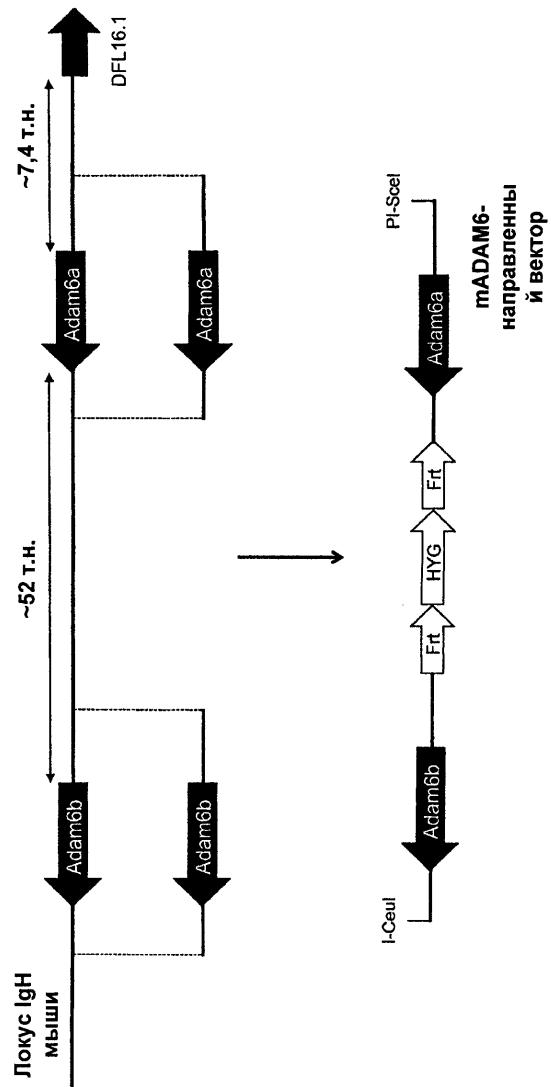


ФИГ. 10В

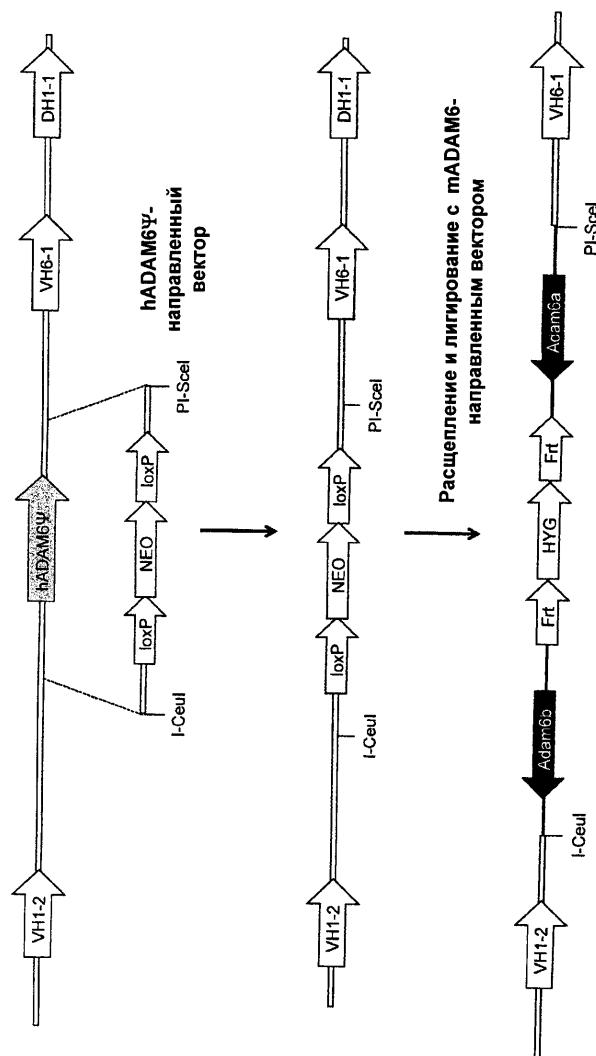
23/41



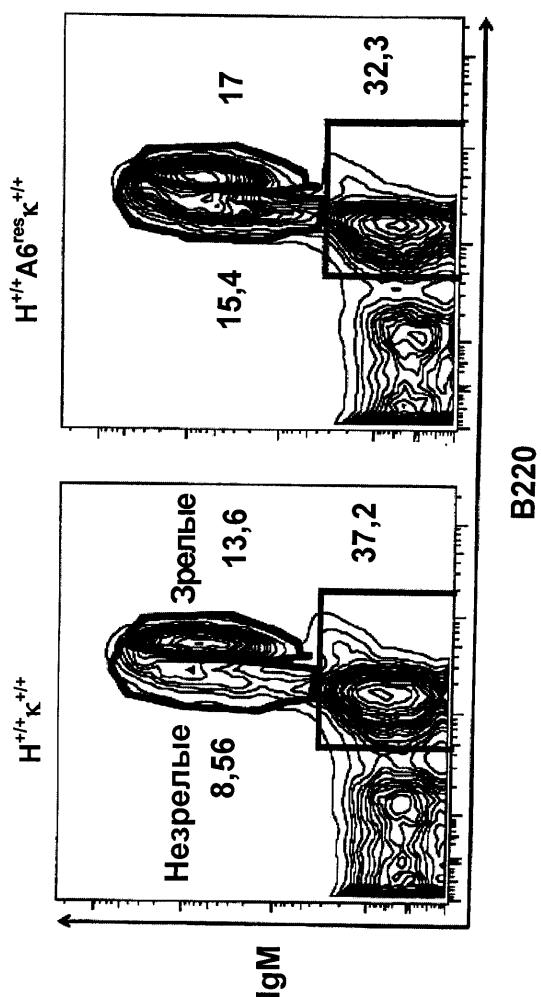


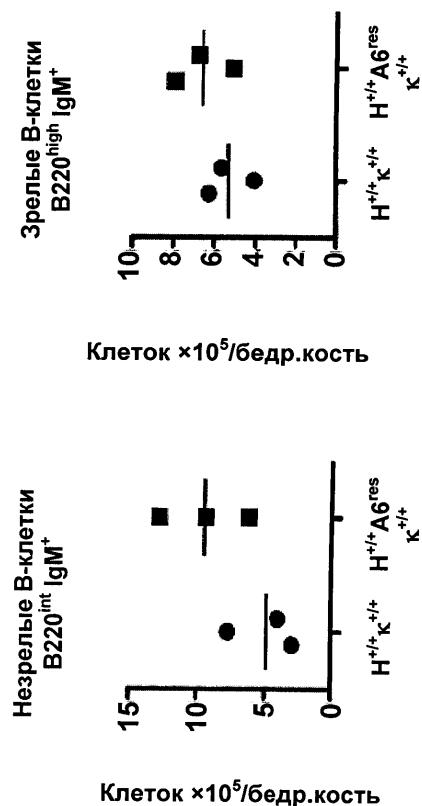


ФИГ. 12

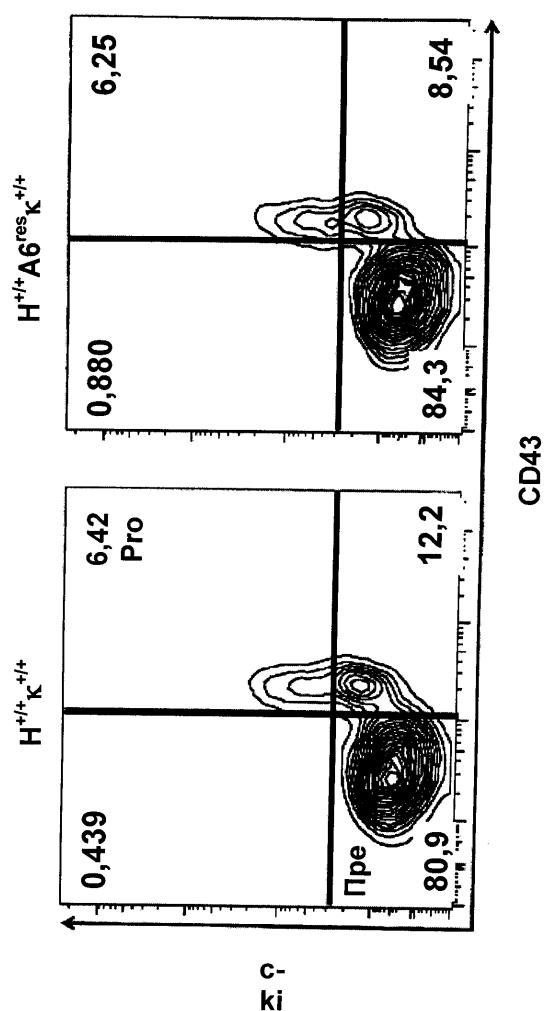


ФИГ. 13

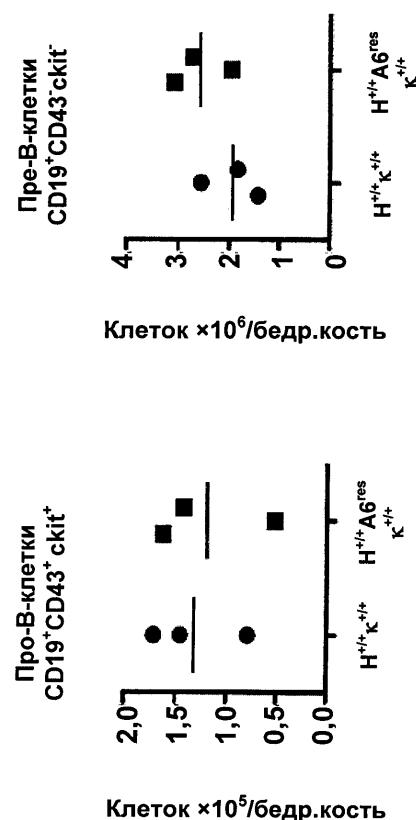




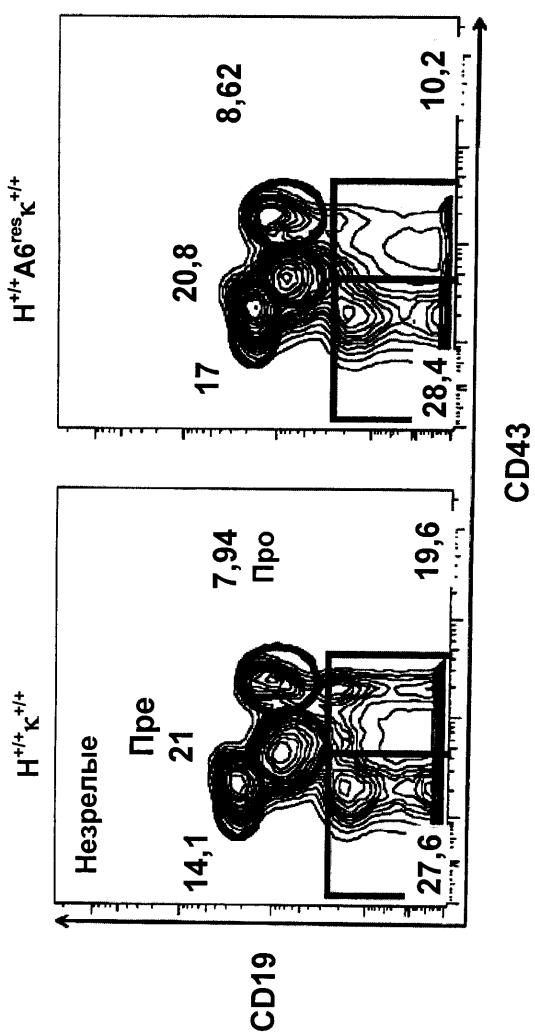
ФИГ. 14В



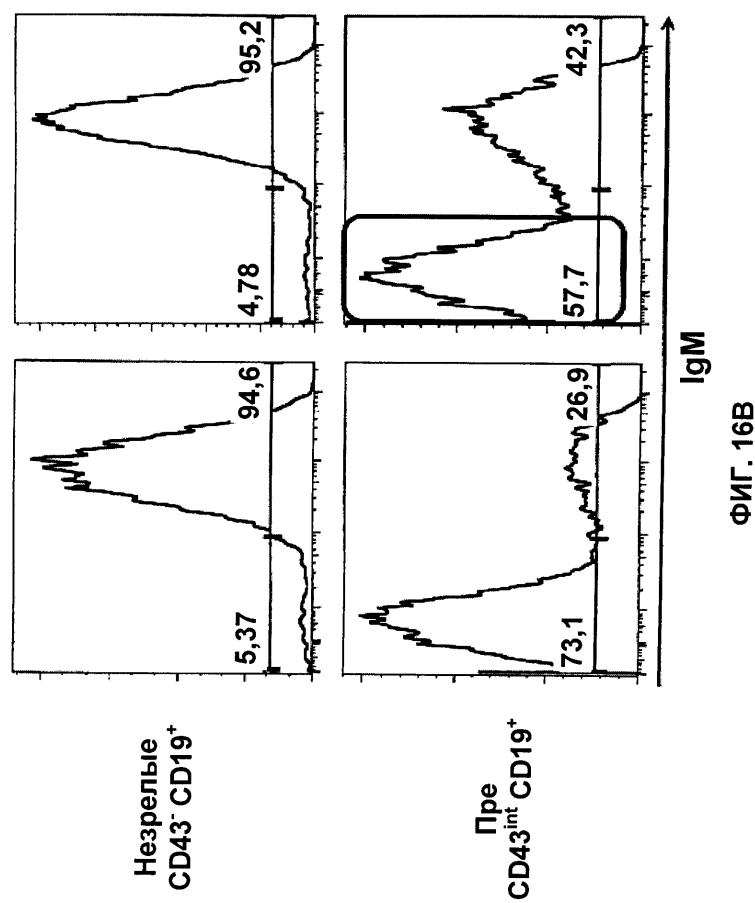
ФИГ. 15А

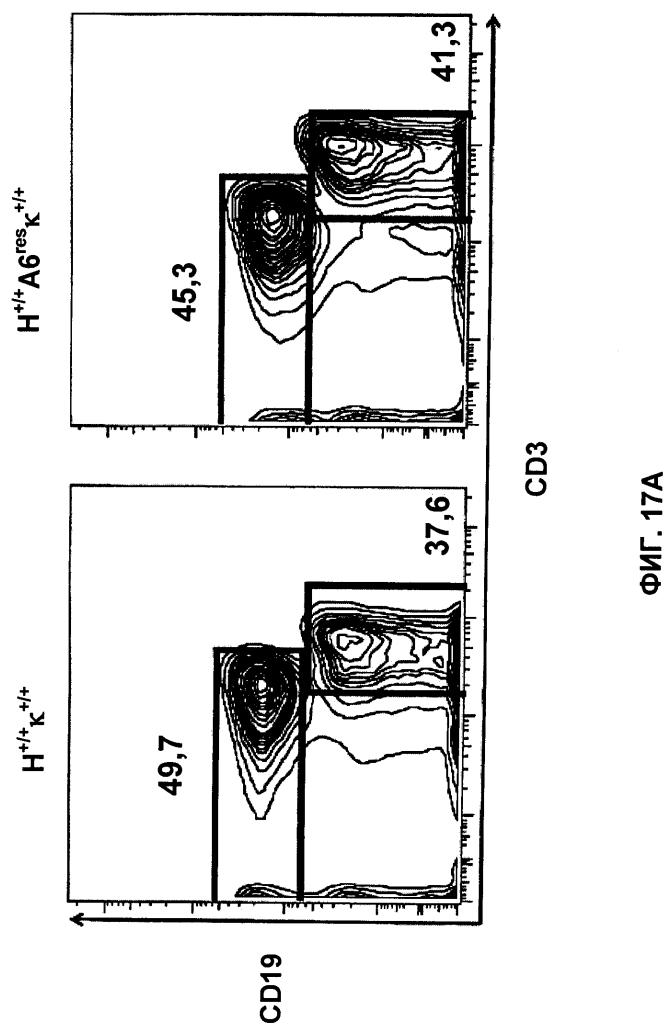


ФИГ. 15В

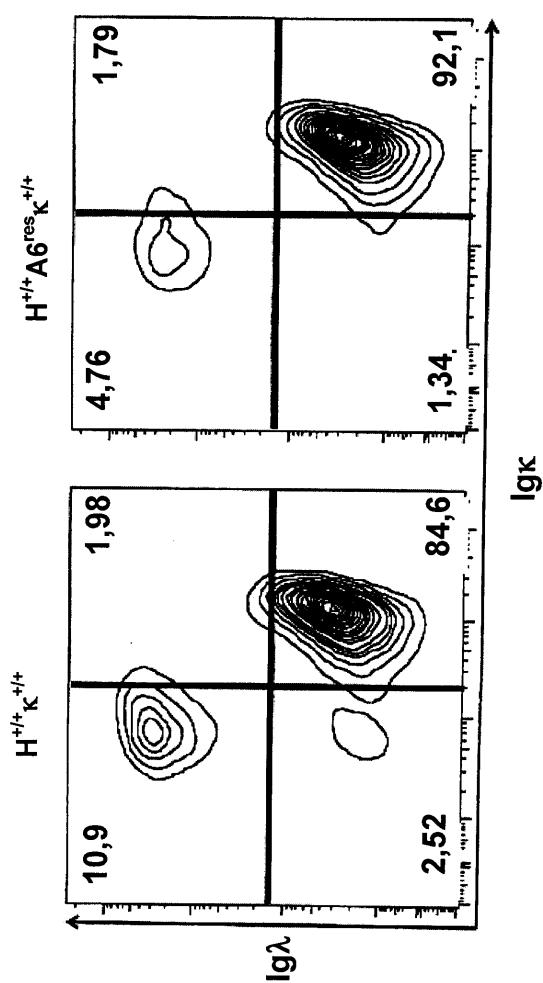


ФИГ. 16А





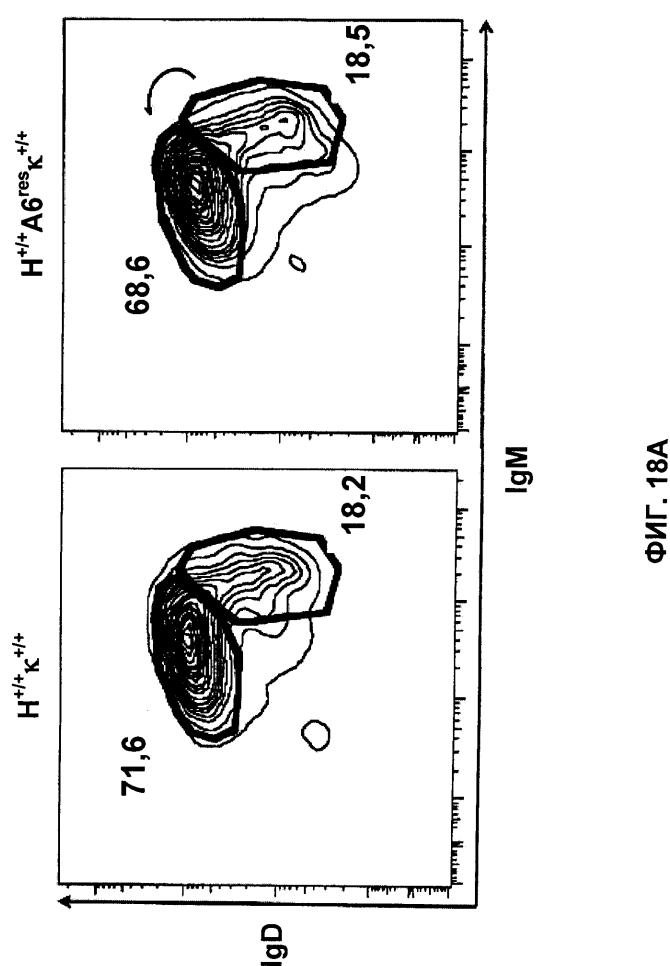
ФИГ. 17А



ФИГ. 17В

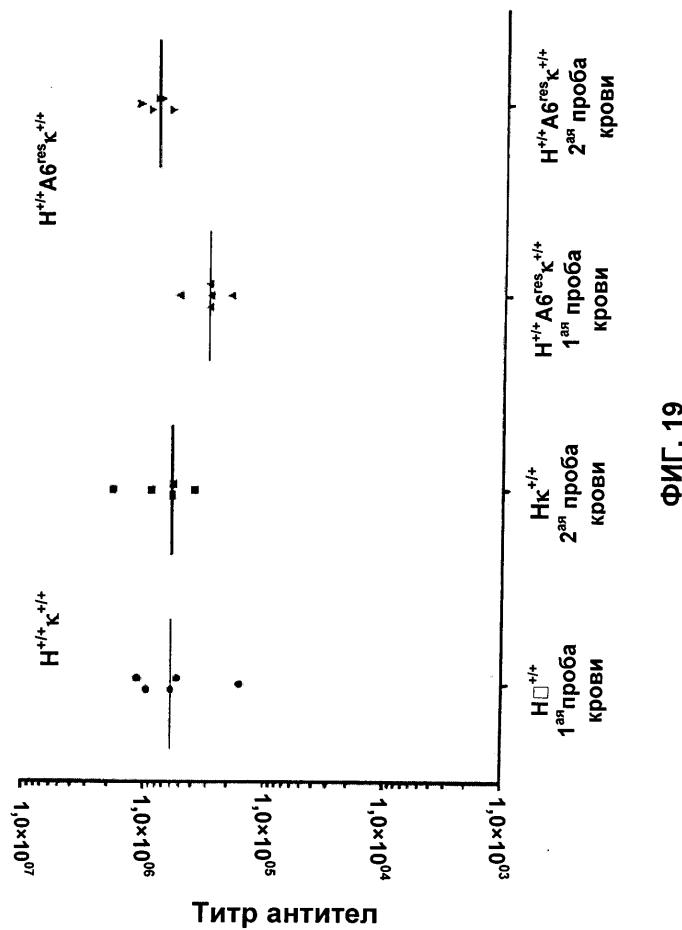


ФИГ. 17С

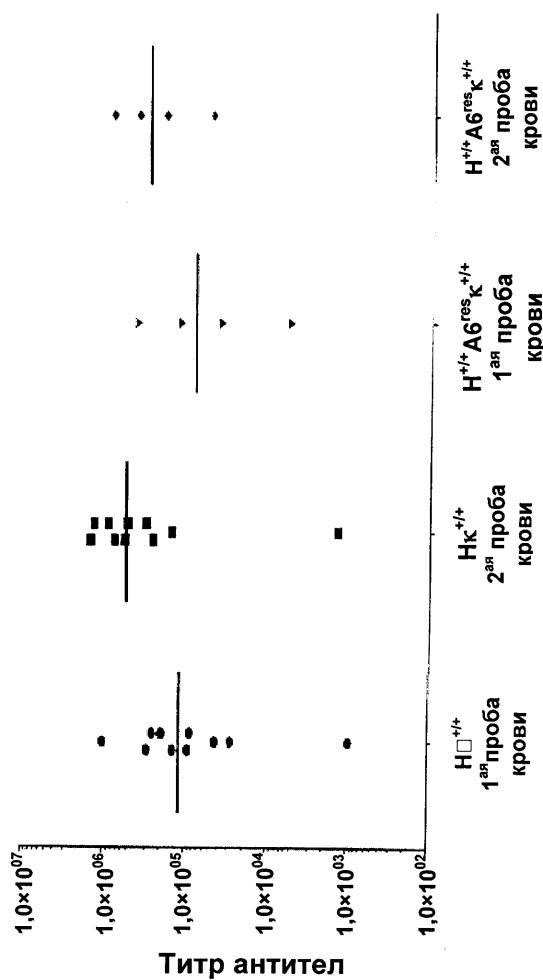




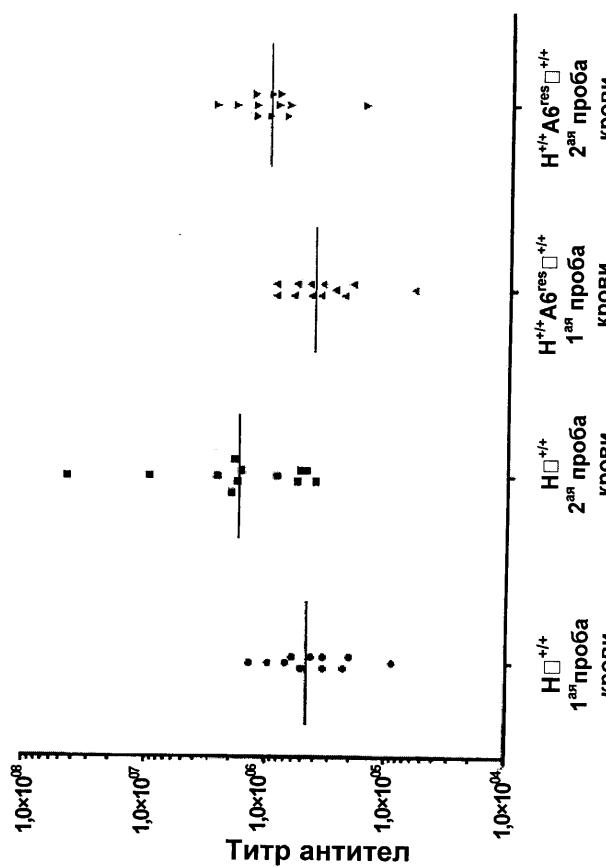
ФИГ. 18В



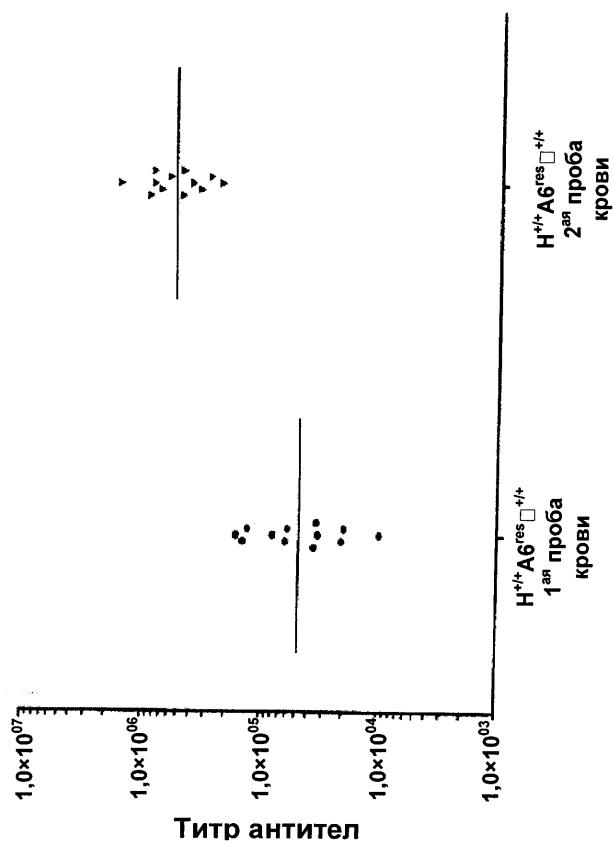
ФИГ. 19



ФИГ. 20



ФИГ. 21



Перечень_последовательностей_к заявке № 2013125717
 ПЕРЕЧЕНЬ ПОСЛЕДОВАТЕЛЬНОСТЕЙ

<110> МАКДОНАЛД, ЛИНН
 СТИВЕНС, ШОН
 МЕРФИ, Эндрю, Дж.

<120> Мыши ADAM6

<130> 1360A-WO

<140> Будет присвоен
 <141>

<150> 61/595,200
 <151> 2012-02-06

<150> 61/497,650
 <151> 2011-06-16

<150> 61/446,895
 <151> 2011-02-25

<160> 58

<170> FastSEQ для Windows версия 4.0

<210> 1

<211> 754

<212> PRT/Белок

<213> Mus musculus

<400> 1

Met Leu Ser Leu Thr Trp Gly Met Arg Leu Val Glu Arg Pro Val Val
 1 5 10 15
 Pro Arg Val Leu Leu Leu Leu Phe Ala Leu Trp Leu Leu Leu Val
 20 25 30
 Pro Val Trp Cys Ser Gln Gly His Pro Thr Trp Arg Tyr Ile Ser Ser
 35 40 45
 Glu Val Val Ile Pro Arg Lys Glu Ile Tyr His Thr Lys Gly Leu Gln
 50 55 60
 Ala Gln Arg Leu Leu Ser Tyr Ser Leu Arg Phe Arg Gly Gln Arg His
 65 70 75 80
 Ile Ile His Leu Arg Arg Lys Thr Leu Ile Trp Pro Arg His Leu Leu
 85 90 95
 Leu Thr Thr Gln Asp Asp Gln Gly Ala Leu Gln Met Glu Tyr Pro Phe
 100 105 110
 Phe Pro Val Asp Cys Tyr Tyr Ile Gly Tyr Leu Glu Gly Ile Leu Gln
 115 120 125
 Ser Met Val Thr Val Asp Thr Cys Tyr Gly Gly Leu Ser Gly Val Ile
 130 135 140
 Lys Leu Asp Asn Leu Thr Tyr Glu Ile Lys Pro Leu Asn Asp Ser Gln
 145 150 155 160
 Ser Phe Glu His Leu Val Ser Gln Ile Val Ser Glu Ser Asp Asp Thr
 165 170 175
 Gly Pro Met Asn Ala Trp Lys His Trp Ser His Asn Thr Gly Ser Pro
 180 185 190
 Ser Ser Arg Leu Glu Tyr Ala Asp Gly Ala Pro Arg Leu Ser Ser Lys
 195 200 205
 Asn Tyr Ala Thr His Pro Ala Ala Ile Lys Gly His Phe Gln Ala Thr
 210 215 220
 His Ser Val Tyr Ser Ala Ser Gly Gly Asp Lys Leu Ser Ser Thr Val
 225 230 235 240
 Glu Tyr Leu Phe Lys Val Ile Ser Leu Met Asp Thr Tyr Leu Thr Asn
 245 250 255
 Leu His Met Arg Tyr Tyr Val Phe Leu Met Thr Val Tyr Thr Glu Ala
 260 265 270
 Asp Pro Phe Ser Gln Asp Phe Arg Val Pro Gly Gly Gln Ala His Thr

275 Phe Tyr Glu Arg Val Phe Tyr Ala His Phe Arg Pro Asp Ala Gly Ala
 290 280 295 300 305 310 315 320
 Ile Ile Asn Lys Asn Ser Pro Gly Asp Asp Ala Val Asn Pro Ala Glu
 Arg Ser Ile Cys Ser Pro Ser Ala Leu Ile Cys Leu Gly Gln His Gly
 Arg Asn Pro Leu Phe Leu Ser Ile Ile Ile Thr Asn Arg Val Gly Arg
 325 330 335 340 345 350 355 360 365 370 375 380
 Ser Leu Gly Leu Lys His Asp Glu Gly Tyr Cys Ile Cys Gln Arg Arg
 Asn Thr Cys Ile Met Phe Lys Asn Pro Gln Leu Thr Asp Ala Phe Ser
 Asn Cys Ser Leu Ala Glu Ile Ser Asn Ile Leu Asn Thr Pro Asp Leu
 385 390 395 400 405 410 415
 Met Pro Cys Leu Phe Tyr Asp Arg His Val Tyr Tyr Asn Thr Ser Leu
 Thr Tyr Lys Phe Cys Gly Asn Phe Lys Val Asp Asn Asn Glu Gln Cys
 420 425 430 435 440 445 450 455 460 465 470 475 480
 Asp Cys Gly Ser Gln Lys Ala Cys Tyr Ser Asp Pro Cys Cys Gly Asn
 Asp Cys Arg Leu Thr Pro Gly Ser Ile Cys Asp Lys Glu Leu Cys Cys
 Ala Asn Cys Thr Tyr Ser Pro Ser Gly Thr Leu Cys Arg Pro Ile Gln
 465 470 475 480 485 490 495
 Asn Ile Cys Asp Leu Pro Glu Tyr Cys Ser Gly Ser Lys Phe Ile Cys
 Pro Asp Asp Thr Tyr Leu Gln Asp Gly Thr Pro Cys Ser Glu Glu Gly
 500 505 510 515 520 525 530 535 540 545 550 555 560
 Tyr Cys Tyr Lys Gly Asn Cys Thr Asp Arg Asn Ile Gln Cys Met Glu
 Ile Phe Gly Val Ser Ala Lys Asn Ala Asn Ile Lys Cys Tyr Asp Ile
 Asn Lys Gln Arg Phe Arg Phe Gly His Cys Thr Arg Ala Glu Glu Ser
 545 550 555 560 565 570 575 580 585 590 595 600 605
 Leu Thr Phe Asn Ala Cys Ala Asp Gln Asp Lys Leu Cys Gly Arg Leu
 Gln Cys Thr Asn Val Thr Asn Leu Pro Phe Leu Gln Glu His Val Ser
 His Arg Gly Thr Glu Thr Ala Asp Ala Gly Leu Val Arg His Gly Thr
 610 615 620 625 630 635 640 645 650 655 660 665 670
 Pro Cys Ser Arg Gly Lys Phe Cys Asp Arg Gly Ala Cys Asn Gly Ser
 Leu Ser Arg Leu Gly Tyr Asp Cys Thr Pro Glu Lys Cys Asn Phe Arg
 Gly Val Cys Asn Asn Arg Arg Asn Cys His Cys His Phe Gly Trp Ser
 Pro Pro Lys Cys Lys Glu Glu Gly His Ser Gly Ser Ile Asp Ser Gly
 Ser Pro Pro Val Gln Arg Arg Ile Ile Lys Gln Asn Leu Glu Pro Val
 Val Tyr Leu Arg Ile Leu Phe Gly Arg Ile Tyr Phe Leu Phe Val Ala
 Leu Leu Phe Gly Ile Ala Thr Arg Val Gly Val Thr Lys Ile Phe Arg
 Phe Glu Asp Leu Gln Ala Ala Leu Arg Ser Trp Gln Glu Gln Ala Lys
 Asp Lys

<210> 2
 <211> 756
 <212> PRT/Белок
 <213> Mus musculus

<400> 2
 Met Leu Ser Leu Thr Trp Gly Met Arg Leu Val Glu Arg Pro Val Val
 1 5 10 15
 Pro Arg Val Leu Leu Leu Leu Phe Ala Leu Trp Leu Leu Leu Val
 20 25 30
 Pro Val Trp Cys Ser Gln Gly His Pro Thr Trp Arg Tyr Ile Ser Ser
 35 40 45
 Glu Val Val Ile Pro Arg Lys Glu Ile Tyr His Thr Lys Gly Leu Gln
 50 55 60
 Ala Gln Arg Leu Leu Ser Tyr Ser Leu His Phe Arg Gly Gln Arg His
 65 70 75 80
 Ile Ile His Leu Arg Arg Lys Thr Leu Ile Trp Pro Arg His Leu Leu
 85 90 95
 Leu Thr Thr Gln Asp Asp Gln Gly Ala Leu Gln Met Asp Tyr Pro Phe
 100 105 110
 Phe Pro Val Asp Cys Tyr Tyr Ile Gly Tyr Leu Glu Gly Ile Pro Gln
 115 120 125
 Ser Met Val Thr Val Asp Thr Cys Tyr Gly Gly Leu Ser Gly Val Met
 130 135 140
 Lys Leu Asp Asp Leu Thr Tyr Glu Ile Lys Pro Leu Asn Asp Ser Gln
 145 150 155 160
 Ser Phe Glu His Leu Val Ser Gln Ile Val Ser Glu Ser Asp Asp Thr
 165 170 175
 Gly Pro Met Asn Ala Trp Lys His Trp Ser His Asn Thr Gly Ser Pro
 180 185 190
 Ser Ser Arg Leu Glu Tyr Ala Asp Gly Ala Pro Arg Ile Ser Ser Lys
 195 200 205
 Asn Tyr Ala Thr His Pro Ala Ala Ile Lys Gly His Phe Gln Ala Thr
 210 215 220
 Asn Ser Val Tyr Asn Ser Ala Ala Gly Asp Lys Leu Ser Ser Thr Val
 225 230 235 240
 Gly Tyr Leu Phe Gln Val Ile Ser Leu Met Asp Thr Tyr Leu Thr Asn
 245 250 255
 Leu His Met Arg Tyr Tyr Val Phe Leu Met Thr Val Tyr Thr Asn Ser
 260 265 270
 Asp Pro Phe Arg Leu Glu Phe Ala Val Pro Gly Gly Ser Ala Tyr Asn
 275 280 285
 Tyr Tyr Val Ser Val Phe Tyr Asn Lys Phe Lys Pro Asp Ala Gly Val
 290 295 300
 Leu Leu Asn Lys Tyr Gly Pro Gln Asp Asn Gln Val Asn Pro Ala Glu
 305 310 315 320
 Arg Ser Ile Cys Ser Ser Leu Ala Leu Ile Cys Ile Gly Lys Tyr Asp
 325 330 335
 Arg Asn Pro Leu Phe Leu Ser Pro Ile Ile Thr Asn Arg Val Gly Arg
 340 345 350
 Ser Leu Gly Leu Lys Tyr Asp Glu Gly Tyr Cys Val Cys Gln Arg Arg
 355 360 365
 Asn Thr Cys Ile Met Phe Arg His Pro Gln Leu Thr Asp Ala Phe Ser
 370 375 380
 Asn Cys Ser Leu Ala Glu Ile Ser Asn Ile Leu Asn Thr Pro Gly Leu
 385 390 395 400
 Met Pro Cys Leu Phe Tyr Asp Arg His Val Tyr Tyr Asn Thr Ser Leu
 405 410 415
 Thr Tyr Lys Phe Cys Gly Asn Phe Lys Val Asp Asn Asp Glu Gln Cys
 420 425 430
 Asp Cys Gly Ser Gln Lys Ala Cys Tyr Ser Asp Pro Cys Cys Gly Asn
 435 440 445
 Asp Cys Arg Leu Thr Pro Gly Ser Ile Cys Asp Lys Glu Leu Cys Cys
 450 455 460
 Ala Asn Cys Thr Tyr Ser Pro Ser Gly Thr Leu Cys Arg Pro Ile Gln
 465 470 475 480
 Asn Ile Cys Asp Leu Pro Glu Tyr Cys Asn Gly Thr Lys Tyr Ile Cys
 485 490 495
 Pro Asp Asp Thr Tyr Leu Gln Asp Gly Thr Pro Cys Ser Glu Asp Gly
 500 505 510
 Tyr Cys Tyr Lys Gly Asn Cys Thr Asp Arg Asn Ile Gln Cys Met Glu
 515 520 525
 Ile Phe Gly Val Ser Ala Lys Asn Ala Asn Ile Lys Cys Tyr Asp Ile

530	535	540
Asn Lys Gln Arg Phe Arg Phe Gly His Cys Thr Arg Ala Glu Glu Ser		
545	550	555
Leu Thr Phe Asn Ala Cys Ala Asp Gln Asp Lys Leu Cys Gly Arg Leu		
565	570	575
Gln Cys Thr Asn Val Thr Asn Leu Pro Tyr Leu Gln Glu His Val Ser		
580	585	590
Phe His Gln Ser Ile Ile Ser Gly Phe Thr Cys Phe Gly Leu Asp Glu		
595	600	605
His Arg Gly Thr Glu Thr Thr Asp Ala Gly Met Val Arg His Gly Thr		
610	615	620
Pro Cys Ser Lys Ser Lys Phe Cys Asp Gln Gly Ala Cys Ser Gly Ser		
625	630	635
Leu Ser His Leu Gly Tyr Asp Cys Thr Pro Glu Lys Cys Ser Phe Arg		
645	650	655
Gly Val Cys Asn Asn His Arg Asn Cys His Cys His Phe Gly Trp Lys		
660	665	670
Pro Pro Glu Cys Lys Glu Glu Gly Leu Ser Gly Ser Ile Asp Ser Gly		
675	680	685
Ser Pro Pro Val Gln Arg His Thr Ile Lys Gln Lys Gln Glu Pro Val		
690	695	700
Val Tyr Leu Arg Ile Leu Phe Gly Arg Ile Tyr Phe Leu Phe Val Ala		
705	710	715
Leu Leu Phe Gly Ile Ala Thr Arg Val Gly Val Thr Lys Ile Phe Arg		
725	730	735
Phe Glu Asp Leu Gln Ala Thr Leu Arg Ser Gly Gln Gly Pro Ala Arg		
740	745	750
Asp Lys Pro Lys		
755		

<210> 3

<211> 13894

<212> DNA/ДНК

<213> Искусственная последовательность

<220>

<223> синтетическая

<400> 3

gtccaaaggat	agcgaggggat	gacagattct	ctgttcagtg	cactcagggt	ctgcctccac	60
gagaatcacc	atgccctttc	tcaagactgt	gttctgtgca	gtgcccgtgc	agtggaaatc	120
tggagagcat	gcttccatga	gcttgtgagt	agtatactca	gtaaggccatg	gctttgtgtt	180
aatggtgatg	ttcttacatac	cagttctctg	gcttaataat	gagggtatgta	ttctatgttc	240
ctgttaacgct	tccttcaactg	ggtccttaagt	ctttcttcac	tccatcttatt	cctcttaaggga	300
atgatccctga	aaatccccatc	acaaactata	ggagatggga	accatcaaaa	aacacagtga	360
caaagagggt	ggaacgcac	agggttcagg	aaccatattt	taaaaagata	tcgtaaataa	420
cttcttaaaa	gagatataaga	caaattctca	ttaatacgg	gaccagggc	ctaaggctaa	480
gaaccaatgg	tggctcaatg	tccctgtca	cccgaggagc	aaacgttagag	cagtttctaa	540
tgtatttattt	aaaaatataaga	atcaaaaatgt	ccagttgtca	attttggaaag	attttatcca	600
gcaatgcac	aacatcagg	ggtgccgagt	ccaaacacgtc	ttatgtccca	tgatataaa	660
aaaggccat	cagaactgtg	gactggaggat	ctaccgttc	ccctaatgac	attcagattt	720
ttttttcatt	ctcttttatct	tagaggagac	agggggctaa	ctcattttac	ttgtcccttg	780
cttggctctg	ccaaagaacgt	aaagcagtt	gcaagtcttc	aaacctaaat	atcttagtaa	840
ctccatcacg	agtggcaatg	ccaaagagac	gtgcaacaaa	gaggaatgaa	atacgaccaa	900
agagtattct	taaatacatc	actggctta	ggttctgtt	tattatgcgc	ctttgaaccg	960
gaggggaccc	actgtctatg	ctccccactgt	gtccctctc	tttgacttt	ggagggctcc	1020
aaccaaaatg	gcaatggcaa	ttccgacgt	tgttacacac	tccctgtaaa	ttgcattttt	1080
Ctgggggtca	gtataaacc	aaacgagata	aacttccct	gcaagctct	cgatcacaga	1140
acttacccct	tgaacacggg	gtaccatgtc	tcaccaatcc	agcatctgt	gtttctgtcc	1200
cacgtgttc	atcaagccca	aagcaggtaa	ccccagagat	aaccgattga	tggaatgaaa	1260
catgttcttg	caaaaatgg	agattgggtga	cattggatca	ctgcaaccc	ccacacagct	1320
tgtccgtatc	agcacaagca	ttgaatgtg	ggctttctc	tgctctgta	caatgccccaa	1380
atcgaaccg	ttgtttgtt	atgtcatagc	acttaatatt	agcatttta	gcacitacac	1440
caaagattc	catgcattgt	atgttgcgt	cagtgcagg	acctttatag	cagtaaccct	1500
cttctgagca	tggtgtccca	tcttgcagat	aagtgtcatc	tggcgaatg	aacttagagc	1560
cactacagta	ctctggaga	tcacatgt	tctggatagg	tctgcagatg	gtccccagaag	1620
gactgttaatg	gcaatttgca	cagcataatt	ctttatcaca	aatgttacca	ggtgttaacc	1680

tgcaatcatt tccacagcag ggatctgaat aacatgcctt ttgggagcca cagtcacact 1740
 gctcattgtt atctactttg aagtttccac aaaactata agtcaatgt gtattataat 1800
 aaacatgacg gtcatalogaaa agacatggca tcagatcagg agtattaagt atgttgctta 1860
 tctctgcaag ggaacaattt ctgaaagcat ctgtaattt aggattttg aacatgatgc 1920
 aggtgttctt tctctggcag atacagtacc cctcattatg tttagggctt aaactccctc 1980
 caacacgatt ggttattata atagataaaa ataaaggatti tcgaccatgt tgaccaagac 2040
 aaatttagggc tgagggagaa catatactcc tctcagctgg attaacagca tcatccctg 2100
 gcgaaattttt gtttaattata gtcctgtcat cagggctaaa atgagcataa aatactctct 2160
 catagaaagt atgagcctgc ctcctggaa ctgcggaaatc ttgtggaaat ggatcggct 2220
 cggtatacac acgtcatgaga aagacatagt accgcattatc aagatggtc agatagggt 2280
 ccattaaact aatgacttta aacaaataat caacagtaga tgaagtttgc tcacccctcg 2340
 aagactata tacaagatgg ttgtgttggaa agtggcctt tatagcagct ggatgtgttag 2400
 cgttaattttt actagatagt ctggggagctc catctgcata ttccaaatctg gaggagggag 2460
 aacctgttattt atggctccag tgcttccatg cattcatagg ccctgtgtca tcagactcg 2520
 atactatctg aaaaacaagg ttgttcaaggc tctgtgtatc attgggggtt ttgatttcat 2580
 aggttaagggtt atccaaactt atgacccctg acaggcccccc aataacaagta tcacagtg 2640
 ccatggattt caggatcccc tccaggtagc caatatagtt acaacttaca gggaaaaagg 2700
 ggttactccat ctgtttaggtt cttgggtcat ttgtgttgtt cagcaacaag tggctggcc 2760
 aaatggatgtt ctgttccgc aggtggatgtt tggttcttgc gccccaaaaa cgcaagctat 2820
 acggagagcag tctttgtgtc tgaaatgtt tggatgttgc gatcttcgc cgaggaataa 2880
 ccacctcccg ttagatgttgc cgccaaatgtt gatggccctg agaacaccag actggaaacca 2940
 ggaggagcag ccagatgtca aatggcaaga ggaggaccct ggggacccca ggctttccca 3000
 ctggcctcat gcctcccgatc agagataaca tcctgggttg agtcaatcc tcctgctgt 3060
 gcccactgcct ggtttagaaa atactgacag aggactaaaa acctccctcg gctcccaacc 3120
 taatgggttgc cccagacaac tggaggttgc taacagtcc tgggtgttgc aggaatttgg 3180
 tctgaatgtt ttagatgttgc ttggatgttgc atattgtcaa aaggatgtc tataaatgtt 3240
 cctggacaag aaaagtcaaa agcagcaagg agtgtcttc acggcttcaaa tccttcttt 3300
 tcttttttttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 3360
 ctgggtctct ttccttaggtt ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 3420
 ttctaaatcc ttttttttttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 3480
 ctatattatgc cttttagtca taaatgttgc ttttttttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 3540
 agtttttttttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 3600
 tttggagctt tctgttaata ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 3660
 ctacctgggtt acctgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 3720
 tctgaccccg tctggggccg ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 3780
 tgactatgg gatggatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 3840
 actgtcggtt tgaacgtcga ggcgttcttgc ttttttttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 3900
 ggcgttcttgc ttttttttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 3960
 tgaaaagggttgc aaaagatggg ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 4020
 gagcaagggtc tacagccccca aatggatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 4080
 aaaaaatggt gtagtggatg ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 4140
 ctaatgttgc agggggaaaaac ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 4200
 tcataatataa gtcctgtcttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 4260
 gcagcttcttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 4320
 gataaaatccc ttcctgtatgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 4380
 agttttggaca tgggtttata aatggatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 4440
 aactccatata tccatcatgg acataggaca acaccaagca gaaaggatgttgc ttagatgttgc 4500
 actgaaggac agagatgtccg tttctaaaca actaggatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 4560
 ccactatagg acatgttgc gtcgtgttac aagagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 4620
 gattacagac cataatctcag ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 4680
 tattccatgg cagaaaatttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 4740
 aaaaacaggc acagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 4800
 agagaggggg agacggggaa ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 4860
 gaggggggggg cagaaggaga gaggagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 4920
 agagaggggggg ggggggggggg ggggggggggg ggggggggggg ggggggggggg 4980
 acatgttttc acatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 5040
 taatggggctt gtagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 5100
 cttcactgg cccatctcca gcttcataat ctgagggtat caaatccccc actaagtgttgc 5160
 ttttagaaatgg tttccacccctt tttggcccttgc tttccatgttgc cccaccccttgc ttagatgttgc 5220
 cccacatcttgc atgttcttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 5280
 tcctataatgc agtctgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 5340
 ttgttattttt ttcctgtgtc cataatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 5400
 tctcacccctt tcctccaggatc cctcgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 5460
 acctcaagca tcttttatttgc attcatcttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 5520
 tgaatattaa agcattaaatc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 5580
 agtcttccctt ttcctgtgtc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 5640
 gctctggat caccaggatc ttcctgtgtc ttagatgttgc ttagatgttgc ttagatgttgc 5700
 tacaccagac ttctcaccat agactataaa agccagaataa ttcctggacag atgttataaca 5760

tcttcggggagc	tccatctgc	tatttccaatc	tggaggagggg	agaacacctgt	ttatggctcc	9900
agtgccttca	tgcatttcata	ggccctgtgt	catcgagtc	agatactatc	tgagaaaaca	9960
ggtgttccaa	gctctgtgaa	tcattgtggg	ttgttggat	atagatgtta	tcatctaact	10020
tcatgacc	tcagaggccc	ccataaaacag	tatccacagt	gaccatggat	tgtgggatcc	10080
ccttcaggta	gccaatata	taacaatcta	caggaaaaaa	ggggtatcc	atctgttaaq	10140
ctcttggtc	atcttgatgt	gtcgaaca	agtgtctggg	ccaaatgagt	gtctttctcc	10200
gcagggttgt	gatatgtctc	tggccccgaa	aatgcacgt	atatgagatc	agtcttgc	10260
cttgaagtcc	tttggatatgg	tagatctct	tccggaggaa	aacaccatcc	gatgagatgt	10320
aacgccaa	aggatggct	tgagaacacc	agactggaa	caggaggagc	agccagatg	10380
caaatagcaa	gaggagacc	ctggggacca	caggcttcc	cactagtgc	atgccccagg	10440
tcagagataa	catcctgggt	ggaggttaat	ccctctgtc	tgcccactgc	ctggcttaga	10500
aaatactgac	agaggactaa	aaacctcc	aggctccaa	cctaagtgtt	tacccagaca	10560
acttggatgt	ggtaaaacgtc	actgggtgt	gcaggaaatt	agtctgtat	tgtagtgc	10620
ggttggatgt	aaatatttgc	aaaaggatgt	tctatataat	tgccgtgaca	agaaaagact	10680
gaagcagcaa	ggagtgtctc	tgacaggctc	aatctttct	tttcttttt	taagaatcaa	10740
ataatccat	ccacgtgtat	gtatgtgtt	cccaatgtga	ttctgggtct	ctttcttaga	10800
gtcaatattt	ctttatattt	tggtctatgt	ccatcaatgt	tttcttaatt	tctgttttg	10860
ttttgttgtt	ttgtttagac	gttagtagta	aatactgtct	atattagctt	tttagctata	10920
aatgattgtt	tttattttctt	ctaatcatat	tttgggttag	tttgggttaa	actattaca	10980
aataggttt	ttttttttcc	ttttgggtgt	tgtcgaag	tgttggatct	tctgttaat	11040
ttgtgttgtt	atttttccaa	tattttaga	cttggagaatt	ctatctgggt	acctgtgaac	11100
tctagaattt	ttaaaaattt	catcttgg	gaacatttacc	tctgaccccg	tctgaggcgc	11160
aagtggctgt	ccccctccaa	cctttagtat	cttctttcc	tgactatgtt	gatttcttca	11220
agaacatagg	ctgtatgggtt	ctcagcgt	agacccatgt	actgcccgt	tgaaatgtca	11280
agagactgcc	acacacttca	ggtcatcaa	cagtgtttc	gcgtcttta	ctttgttaga	11340
agggaaaaggcc	ggctctgtgt	tatcttca	aaatcatcaa	tgaaaagatgt	aaaagatggg	11400
tatcccccgg	agttcatgt	agacccctgc	tcagacacgt	gagcagggtc	tacagcccc	11460
aagataggtt	gcccgtcaac	atgttattat	aagatagaa	aaaaaaatgg	gtgttggag	11520
ggttgcataa	cttacttct	cttacaaatc	tatatctcat	ctaagtgtc	agggaaaac	11580
tctgttagggc	tactgggtt	gttattatca	tttattat	tattatttt	attattat	11640
ttatttattat	tatttactt	aggcatttt	ttagatatt	tcttcattt	gtttcaataat	11700
gttattccccc	gaacccctca	tactcttcc	ctggccctgt	cccccaacca	ccactccct	11760
catccctggcc	ctggcattcc	cttatactgt	ggcagatgt	cttctgtaa	ccaaagagct	11820
ttccctccat	tgatggccct	cttactgtatc	cttctttaca	tatgcaacta	gagtcacagc	11880
tctggggagg	tattgtttag	ttcatattgt	ttttctctt	atagggttgc	agatccctt	11940
agcttcttgc	gtacttctc	tagctctcc	atggggggcc	ctgtgttcc	tccaaatgtat	12000
gactgttgac	atccacttct	gtatttgc	ggtatttggca	tggaitttac	tgcacccct	12060
gaactctctt	agcagcttcc	ctggcaccc	ccaggagcc	ctatgtaaag	tctctgttct	12120
ccccctgtgg	ctatagacat	tactgcac	gatcacccct	gcagcttcc	agggaaagagg	12180
gaggaaatgg	cttggccccc	gttgcgttta	ggtaagaggaa	gataatcc	tttctgtat	12240
ttagggttgag	aagggttcatg	tgcttcatca	ttgtgtgacca	acttggggac	atgggttcat	12300
acagtcatca	ctctgaggct	tgtgtacca	ccagactgaa	ctcccatatc	ctacatgcac	12360
ataggacaatca	accaaatgt	aggagttt	aggactaaac	ttggagacag	agatgggtt	12420
tctaaacaaac	tagggatgt	ggggccgc	ctcttcaaa	actataggac	atctgggt	12480
ctggtttacaa	agagagatta	ctcaaggatcc	ttagcactga	ttacagagca	tatctcatat	12540
gccttctgt	gaccagatgt	atcttgcat	aactgttca	tccagatgtt	aaaaattgtat	12600
gccccatagtc	caagtgttgc	tttggggatca	gacgatttaa	aaacaggcc	agagatgtg	12660
gagaaaggag	aaggagagag	agaaggggaa	gggagagaa	agagagggag	acggagaa	12720
aaaggagggg	aaaggagaa	agagaagggg	catggacaga	gggagggaca	gaaggagaga	12780
ggagatagag	aggggatata	ggagaaagg	aggggggag	agagagggaa	ggctaaatgt	12840
ttccatatact	gggttccaaat	accttctata	acccaaatc	atgttttgc	atatacaat	12900
gcgggtggaa	tatagataac	tgttaaataat	tgtaaaata	atggggctga	gatctgggt	12960
tttcatgata	gtttttcaatg	cactgtact	actaaaaatc	tccactggcc	catttcgcac	13020
ttttaatctt	gggggtatca	aattttccac	taatgtgtt	tagaaatgtc	tccacccctt	13080
tgcccttgc	ttccagttgc	ccacctacgt	tctggctcc	cacatctgtat	gtcttctca	13140
tgtatctggc	cctggctgt	ccacgtatc	aaaccccttc	ctataatgtat	ctctgtgtc	13200
aggcatatcatc	ctgtatctac	ccacctttaa	catgtttt	gttattttt	cctgtgttca	13260
tactacatag	gaagggtatc	catgttgc	ctgaggatc	tcatctca	ctaagcacc	13320
tcgttcttaga	atgtgtcccc	ttttgtttca	gcgttgc	ctcaagatc	ttttatttc	13380
tcccaacaag	ccaaatataac	tgctgtgt	ttataagat	aaattttaaag	cattgttat	13440
aaggatcttc	ctgtcttac	cttgagttc	ctagggtc	tgtggatca	ggaacctctg	13500
cctgtttagc	aggcttataatc	gttccacggg	atttgcgtt	ttgtgggtgc	caggagctgt	13560
gcaaaatctgg	aagaaaatgg	gattggaa	aaaaagagaa	acgaagacca	ggggggcc	13620
ttccatatact	ggttttcggt	tattaggctg	aggtgcctgg	tgtaaagat	agtagatctt	13680
gaataggaa	gggttcgggg	ggatattttac	aaagaaacaa	gaagccggca	gcatcgccgg	13740
ttggggccga	agtcaggcttc	caggcaggcc	gagcttcc	gggggtggc	tctgtgtaca	13800
cctttttctc	cgccccgcac	atagataaaag	ctta	catttcattt	catttcattt	13860

<211> 251
<212> DNA/ДНК
<213> Искусственная последовательность

<220>
<223> синтетическая

<400> 4
ccagcttcat tagtaatcgt tcacatctgtgg taaaaaggca ggatttgaag ctaggaaaga 60
tgggagtacg gggcggttgg a agacaaaatgc ccacacacg cagccctcg ttagaccccc 120
gggcctaacta taacggctctt aaggtagcga gggatgaca gattttctgt tcagtgcact 180
cagggtctgc ctccacgaga atcaccatgc cctttctcaa gactgtgttc tgtgcagtgc 240
cctgtcagtgc 251

<210> 5
<211> 245
<212> DNA/ДНК
<213> Искусственная последовательность

<220>
<223> синтетическая

<400> 5
aggggtcggg ggggaatttt acaaagaaca aagaagcggg catctgctga catgagggcc 60
gaagtccaggc tccaggcaggc gggagctcca ccgcgggtggc gccatattcat tacctcttc 120
tccgcacccg acatagataa agcttatccc ccaccaagca aatcccccta cctggggccg 180
agcttcccgat atgtgggaaa atgaatccct gaggtcgatt gctgcatgca atgaaattca 240
actag 245

<210> 6
<211> 21
<212> DNA/ДНК
<213> Искусственная последовательность

<220>
<223> синтетическая

<400> 6
caggtagcgc tgcaagcagtc a 21

<210> 7
<211> 21
<212> DNA/ДНК
<213> Искусственная последовательность

<220>
<223> синтетическая

<400> 7
ggagatggca caggtgagtg a 21

<210> 8
<211> 17
<212> DNA/ДНК
<213> Искусственная последовательность

<220>
<223> синтетическая

<400> 8
tccaggactg gtgaagc 17

<210> 9
<211> 24
<212> DNA/ДНК
<213> Искусственная последовательность

<220>

<223> синтетическая	
<400> 9	
tagtcccaagt gatgagaaag agat	24
<210> 10	
<211> 24	
<212> DNA/ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 10	
gagaacacag aagtggatga gatc	24
<210> 11	
<211> 17	
<212> DNA/ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 11	
tgagtcccaagt ccaggga	17
<210> 12	
<211> 28	
<212> DNA/ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 12	
aaaaatttag tttgtaatggta taagagtg	28
<210> 13	
<211> 21	
<212> DNA/ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 13	
aaccctggtc agaaaactgcc a	21
<210> 14	
<211> 19	
<212> DNA/ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 14	
agagaaaacag tggatacgt	19
<210> 15	
<211> 22	
<212> DNA/ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	

<400> 15 aactacgcaс agaagttcca gg	22
<210> 16 <211> 18 <212> DNA/ДНК <213> Искусственная последовательность	
<220> <223> синтетическая	
<400> 16 gctcgtggat ttgtccgc	18
<210> 17 <211> 16 <212> DNA/ДНК <213> Искусственная последовательность	
<220> <223> синтетическая	
<400> 17 cagagtcaсг attacc	16
<210> 18 <211> 19 <212> DNA/ДНК <213> Искусственная последовательность	
<220> <223> синтетическая	
<400> 18 tgagcагаcас cctcacgtt	19
<210> 19 <211> 23 <212> DNA/ДНК <213> Искусственная последовательность	
<220> <223> синтетическая	
<400> 19 gtggcctcac aggtataгct gtt	23
<210> 20 <211> 18 <212> DNA/ДНК <213> Искусственная последовательность	
<220> <223> синтетическая	
<400> 20 accaaggacg agtatgaa	18
<210> 21 <211> 33 <212> DNA/ДНК <213> Искусственная последовательность	
<220> <223> синтетическая	
<400> 21 gctagtagtg gggcctacag gcctttgat atc	33

<210> 22		
<211> 48		
<212> DNA/ДНК		
<213> Искусственная последовательность		
<220>		
<223> синтетическая		
<400> 22		
gcaaaagccs aggggagtg ggagctactac acctatgctt ttgatatc		48
<210> 23		
<211> 42		
<212> DNA/ДНК		
<213> Искусственная последовательность		
<220>		
<223> синтетическая		
<400> 23		
gcgagagagg gtatagtggg aactactgag gactttgatt ac		42
<210> 24		
<211> 33		
<212> DNA/ДНК		
<213> Искусственная последовательность		
<220>		
<223> синтетическая		
<400> 24		
gcgagaggga cagtgggagc cctctttgac tac		33
<210> 25		
<211> 36		
<212> DNA/ДНК		
<213> Искусственная последовательность		
<220>		
<223> синтетическая		
<400> 25		
gcgaaaccta gtgggagcta ctccctggttc gacccc		36
<210> 26		
<211> 45		
<212> DNA/ДНК		
<213> Искусственная последовательность		
<220>		
<223> синтетическая		
<400> 26		
gcgagaggag gagggtataa ctggaactcg aatgctttt atatc		45
<210> 27		
<211> 33		
<212> DNA/ДНК		
<213> Искусственная последовательность		
<220>		
<223> синтетическая		
<400> 27		
gcgagaggat ataactggaa ctactttgac tac		33
<210> 28		

<211> 39	
<212> DNA/ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 28	
gcgaaaagagt ataaactggaa ccactggtag tttgactac	39
<210> 29	
<211> 33	
<212> DNA/ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 29	
gcccggggata taactggaa cccctttgac tac	33
<210> 30	
<211> 39	
<212> DNA/ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 30	
gcccggggatataactggaa cttttctttt tttgactac	39
<210> 31	
<211> 36	
<212> DNA/ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 31	
gcccggggatataactggaa cttttctttt gactac	36
<210> 32	
<211> 39	
<212> DNA/ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 32	
gcgaaaagggtt ctactatggt tcggggagct cttgactac	39
<210> 33	
<211> 60	
<212> DNA/ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 33	
gcgagagata ttactatggt tcggggagtt attataacgtt aggtctacgg tatggacgtc	60
<210> 34	
<211> 27	

<212> ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 34	
gcgagagagt atagcagctt tgactac	27
<210> 35	
<211> 33	
<212> ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 35	
gsgagagaga gtatgcagc tcgttgac tac	33
<210> 36	
<211> 42	
<212> ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 36	
gcaagagagg ataggagctc gcccctcggt tactttgact ac	42
<210> 37	
<211> 24	
<212> ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 37	
gcgagagatc ttggggaaagg ctac	24
<210> 38	
<211> 30	
<212> ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 38	
accacccata actggggagg gtttgactac	30
<210> 39	
<211> 18	
<212> ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 39	
gcgagagata ggggaccg	18
<210> 40	
<211> 30	
<212> ДНК	
<213> Искусственная последовательность	

<220>		
<223> синтетическая		
<400> 40		
саасагагтт atagtagcccc tccggagacg	30	
<210> 41		
<211> 27		
<212> DNA/ДНК		
<213> Искусственная последовательность		
<220>		
<223> синтетическая		
<400> 41		
саасагсtttta atagttaccc tcggacg	27	
<210> 42		
<211> 26		
<212> DNA/ДНК		
<213> Искусственная последовательность		
<220>		
<223> синтетическая		
<400> 42		
саасагсttta atagttacca ttcact	26	
<210> 43		
<211> 27		
<212> DNA/ДНК		
<213> Искусственная последовательность		
<220>		
<223> синтетическая		
<400> 43		
саасаттttta atagttaccc gctcact	27	
<210> 44		
<211> 27		
<212> DNA/ДНК		
<213> Искусственная последовательность		
<220>		
<223> синтетическая		
<400> 44		
сагсагтата ataactggcc tctcact	27	
<210> 45		
<211> 27		
<212> DNA/ДНК		
<213> Искусственная последовательность		
<220>		
<223> синтетическая		
<400> 45		
стакагсата atagttaccc gtggacg	27	
<210> 46		
<211> 27		
<212> DNA/ДНК		
<213> Искусственная последовательность		
<220>		

<223> синтетическая	
<400> 46	
ctacagcata atagttaccc tcggacg	27
<210> 47	
<211> 27	
<212> DNA/ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 47	
cagcagtatg gtagtcacc tcggacg	27
<210> 48	
<211> 27	
<212> DNA/ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 48	
atgcaaggta cacactggcc gtggacg	27
<210> 49	
<211> 27	
<212> DNA/ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 49	
atgcaagggtt cacactggcc gtacact	27
<210> 50	
<211> 27	
<212> DNA/ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 50	
atgcaaggta cacactggcc gctcact	27
<210> 51	
<211> 27	
<212> DNA/ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	
<400> 51	
caacagtatg ataatctcccc tcccaact	27
<210> 52	
<211> 27	
<212> DNA/ДНК	
<213> Искусственная последовательность	
<220>	
<223> синтетическая	

<400> 52 caacagtatg ataatctccc attcact	27
<210> 53 <211> 27 <212> DNA/ДНК <213> Искусственная последовательность	
<220> <223> синтетическая	
<400> 53 caacagtatg ataatctccc cgtcact	27
<210> 54 <211> 27 <212> DNA/ДНК <213> Искусственная последовательность	
<220> <223> синтетическая	
<400> 54 caacagtatg ataatctccc gatcacc	27
<210> 55 <211> 24 <212> DNA/ДНК <213> Искусственная последовательность	
<220> <223> синтетическая	
<400> 55 caacggattt acaatgccga cacc	24
<210> 56 <211> 30 <212> DNA/ДНК <213> Искусственная последовательность	
<220> <223> синтетическая	
<400> 56 caacagagtt acagtaccccatgtacact	30
<210> 57 <211> 27 <212> DNA/ДНК <213> Искусственная последовательность	
<220> <223> синтетическая	
<400> 57 caacagagtt acagtacccctctcact	27
<210> 58 <211> 27 <212> DNA/ДНК <213> Искусственная последовательность	
<220> <223> синтетическая	
<400> 58 caacagagtt acagtactcc tccccact	27