

(19) 日本国特許庁 (JP)

(12) 特 許 公 報 (B2)

(11) 特許番号

特許第6395855号
(P6395855)

(45) 発行日 平成30年9月26日 (2018. 9. 26)

(24) 登録日 平成30年9月7日 (2018. 9. 7)

(51) Int. Cl.

F I

A 6 1 K 39/225 (2006. 01)

A 6 1 K 39/225 Z N A

A 6 1 K 39/39 (2006. 01)

A 6 1 K 39/39

A 6 1 P 31/14 (2006. 01)

A 6 1 P 31/14

C O 7 K 14/165 (2006. 01)

C O 7 K 14/165

C 1 2 N 15/50 (2006. 01)

C 1 2 N 15/50

請求項の数 13 (全 60 頁)

(21) 出願番号 特願2016-560358 (P2016-560358)
 (86) (22) 出願日 平成27年3月30日 (2015. 3. 30)
 (65) 公表番号 特表2017-511328 (P2017-511328A)
 (43) 公表日 平成29年4月20日 (2017. 4. 20)
 (86) 国際出願番号 PCT/US2015/023284
 (87) 国際公開番号 W02015/153425
 (87) 国際公開日 平成27年10月8日 (2015. 10. 8)
 審査請求日 平成28年12月2日 (2016. 12. 2)
 (31) 優先権主張番号 61/974, 722
 (32) 優先日 平成26年4月3日 (2014. 4. 3)
 (33) 優先権主張国 米国 (US)

(73) 特許権者 503345374
 ベーリンガー インゲルハイム フェトメ
 ディカ インコーポレイテッド
 アメリカ合衆国 ミズーリ州 64506
 -2002 セント ジョセフ ノース
 ベルト ハイウェイ 2621
 (74) 代理人 100086771
 弁理士 西島 孝喜
 (74) 代理人 100088694
 弁理士 弟子丸 健
 (74) 代理人 100094569
 弁理士 田中 伸一郎
 (74) 代理人 100084663
 弁理士 箱田 篤

最終頁に続く

(54) 【発明の名称】 ブタ流行性下痢ウイルスワクチン

(57) 【特許請求の範囲】

【請求項 1】

不活化ブタ流行性下痢ウイルス (PEDV) およびアジュバントとして水中油エマルジョンを含むワクチンであって、前記ブタ流行性下痢ウイルス (PEDV) が北アメリカ起源の遺伝子型2aのPEDVであって、配列番号:1によってコードされる、及び/又は、配列番号:1の配列を含む、及び/又は配列番号:1のRNA等価物を含むPEDV、及び/又は、配列番号:15によってコードされるPEDVである、前記ワクチン。

【請求項 2】

不活化ブタ流行性下痢ウイルス (PEDV) が化学的に不活化されている、請求項 1 記載のワクチン。

【請求項 3】

不活化ブタ流行性下痢ウイルス (PEDV) が、エチレンイミン、パイナリーエチレンイミン、アセチルエチレンイミン、およびこれらの混合物からなる群より選ばれる化合物を含む化学不活化剤で処理することによって化学的に不活化されている、請求項 1 記載のワクチン。

【請求項 4】

不活化ブタ流行性下痢ウイルス (PEDV) が、パイナリーエチレンイミンによって化学的に不活化されている、請求項 1 記載のワクチン。

【請求項 5】

さらに1つ以上の追加抗原を含む、請求項 1 ~ 4 のいずれか1項記載のワクチン。

【請求項 6】

追加抗原がブタ流行性下痢ウイルス（PEDV）の構造タンパク質M、E、又はNである、請求項 5 に記載のワクチン。

【請求項 7】

水中油エマルジョンがEMULSIGEN系水中油エマルジョンである、請求項 1 ～ 6 のいずれか 1 項記載のワクチン。

【請求項 8】

以下を含む、ブタ流行性下痢ウイルス（PEDV）関連疾患に対してブタをワクチン免疫するためのキット：

a) ワクチンをブタに投与することができるディスペンサー；及び

b) 請求項 1 ～ 7 のいずれか 1 項に記載のワクチン。

10

【請求項 9】

以下の工程を含む、請求項 1 ～ 4 のいずれか 1 項に記載の不活化ブタ流行性下痢ワクチンを製造する方法：

a) サル細胞にブタ流行性下痢ウイルス（PEDV）を接種する工程；

b) 接種したサル細胞をインキュベートする工程；

c) インキュベートした細胞からブタ流行性下痢ウイルス（PEDV）を採集する工程；及び

d) 採集細胞を化学不活化剤で処理する工程。

【請求項 10】

化学不活化剤がエチレンイミン、バイナリーエチレンイミン、アセチルエチレンイミン、およびこれらの混合物からなる群より選ばれる化合物である、請求項 9 記載の方法。

20

【請求項 11】

化学不活化剤がバイナリーエチレンイミンを含む、請求項 10 記載の方法。

【請求項 12】

サル細胞がVero細胞である、請求項 9 ～ 11 のいずれか 1 項記載の方法。

【請求項 13】

EMULSIGEN系水中油エマルジョンをブタ流行性下痢ウイルス（PEDV）に添加することを更に含む、請求項 9 ～ 12 のいずれか 1 項記載の方法。

【発明の詳細な説明】

【技術分野】

30

【0001】

（配列表）本出願は37C.F.R.1.821-1.825にしたがい配列表を含む。本出願添付の配列表はしたがって参照によりその全体が本明細書に含まれる。

（技術分野）

本発明は、米国で現在流行している単離株に特異的なブタ流行性下痢ウイルス（PEDV）ワクチンに関し、本ワクチンは、PEDVによって引き起こされる疾患の臨床徴候を軽減することができる。10日齢未満の仔猪の高い死亡率（100%に至る）のために、当該疾患は米国の養豚産業にとって経済的懸念である。

【背景技術】

【0002】

40

ブタ流行性下痢ウイルスは、エンベロープを有する、プラスセンスの一本鎖RNAウイルスであり、ブタで急性下痢、嘔吐及び脱水を引き起こす。前記は最初ヨーロッパで認められたが、徐々に多くのアジア諸国（韓国、中国、日本、フィリピン及びタイを含む）で問題となってきた。2013年4月に、PEDVは米国中西部のブタに出現し急速に全国に広まった。2013年10月までにPEDVは18州のブタ群で検出された。PEDV感染の経済的影響は既に相当なものになっている。PEDVの北アメリカ単離株が同定されたが（Huang, et al. 2013; Stevenson et al. 2013）、しかしながら米国では完全に認可されたワクチンは市場で入手できない。したがって、PEDV関連疾患からブタを防御できるワクチンの開発は引き続き希求されている。粘膜ルート（経口又は鼻内）の他に非経口的な方法（例えば筋肉内、皮下又は静脈内）を介して投与しうる、新たに出現した北アメリカPEDV株に有効なワクチンを開

50

発することは有益であろう。

PEDVは、コロナウイルス亜科 (Coronavirinae) アルファコロナウイルス属、のメンバーであり (Bridgen et al. 1993)、最初英国で1971年に、その後他の国々、例えばベルギー、中国、ハンガリー、イタリア、日本、韓国及びタイで同定された (Oldham J. 1972 ; Pensaert and De Bouck P. 1978 ; Chen et al. 2008 ; Nagy et al. 1996 ; Martelli et al. 2008 ; Takahashi et al. 1983 ; Chae et al. 2000 ; 及びPuranaveja et al. 2009)。このファミリーの他のメンバーには、ブタ呼吸器コロナウイルス (PRCV)、血球凝集性脳脊髄炎コロナウイルス (PHE) 及び伝染性胃腸炎ウイルス (TGEV) が含まれる。PEDVとTGEVウイルスとは関連性があり臨床徴候も非常に類似するが、免疫交差防御は存在しない。

10

【 0 0 0 3 】

PEDVはエンベロープをもつウイルスで、5' キャップ及び3' ポリアデニル化テールを有する約28kbのプラスセンスの一本鎖RNAゲノムを保有する (Pensaert and De Bouck P. 1978)。当該ゲノムは、5' 非翻訳領域 (UTR)、3' UTR及び少なくとも7つのオープンリーディングフレーム (ORF) を含み、前記ORFは、4つの構造タンパク質 (スパイク (S)、エンベロープ (E)、膜 (M) 及びヌクレオカプシド (N)) 及び3つの非構造タンパク質 (レプリカーゼ1a及び1b並びにORF3) をコードし、これらは、5'-レプリカーゼ (1a/1b) -S-ORF3-E-M-N-3' の順序で当該ゲノム上に並んでいる (Oldham J. 1972 ; 及びBridgen et al. 1993)。既に特徴付けられた、最初に出現した3つの北アメリカPEDVゲノム配列 (ミネソタMN (GenBank : KF468752.1)、アイオワIA1 (GenBank : KF468753.1) 及びアイオワIA2 (GenBank : KF468754.1)) は、28,038ヌクレオチド (nt) の同じサイズ (ポリアデノシンテールを除く) を有し、プロトタイプPEDV CV777株 (GenBank : AF353511.1) とゲノム編成を共有する。これらの3つの北アメリカPEDVの配列は99.8から99.9%のヌクレオチド同一性を共有していた。特にMN及びIA2株は全ゲノムにわたって11ヌクレオチドしか相違しない。

20

PEDV Sタンパク質は1,383アミノ酸 (aa) を含むI型糖タンパク質である。当該Sタンパク質は、他のコロナウイルスのSタンパク質との相同性を基準にしてS1 (1 - 789aa) 及びS2ドメイン (790 - 1,383aa) に分割できる (Chang et al. 2002 ; Cruz et al. 1994 ; Gode t, et al 1994 ; Jackwood et al. 2001 ; Sturman and Holmes; 1984 ; 及びSun et al. 2008)。コロナウイルスのSタンパク質は表面抗原であり、前記は宿主細胞の受容体糖タンパク質との相互作用 (ウイルス侵入を媒介する) の調節、及び天然の宿主における中和抗体の誘発の刺激で役割を果たす。したがって、S糖タンパク質はPEDVに対する有効なワクチンの開発の主要な標的である。

30

【 0 0 0 4 】

PEDV Mタンパク質はウイルスアッセンブリー過程で重要な役割を果たすもっとも豊富なエンベロープ成分であり、ウイルスを中和する抗体もまた誘発する。同様に、PEDV Nタンパク質 (ビリオンRNAと結合してヌクレオカプシドに構造的基礎を提供する) もまた細胞媒介免疫の誘発のために重要でありうる (Saif, L. 1993)。

PEDVのただ1つの アクセサリー遺伝子がORF3である。アクセサリー遺伝子は一般的に野外株で維持されるが、ORF3の改変は病毒性に影響を与えられ、病毒性を低下させるために、細胞培養馴化を用いてORF3遺伝子が改変されてきた (Song et al. 2003)。実際、ORF3遺伝子の解明を通して、2006年以来研究者らは、中国の免疫ブタ群でPEDVの新しい遺伝子グループの出現を精査してきた。これらの株の系統発生的研究及び中国におけるPEDVの地域的再出現は、激甚な腸疾患を引き起こすこれらの野外株は、ヨーロッパ株及びワクチン株とORF3で遺伝的に異なることを明らかにした (Park et al. 2011)。

40

多様なレベルの病毒性を有する種々のPEDV株が実際に存在することは周知である。1980年代から1990年代に、PEDVは全ヨーロッパ、例えばベルギー、英国、ドイツ、フランス、オランダ及びスイスのような国々で流行した。ヨーロッパにおける報告例の頻度はその後しだいに減少し、及び/又は、PEDVによって引き起こされる疾患は産業的ワクチン開発を開始させるほどに大きな経済的重要性をもたなかった (Song and Park 2012)。一方、中国では1980年代からPEDVの大流行が報告され、大規模な下痢の発生に随伴して2010年以降

50

出現するPEDVの変種株はより急性かつ重篤であった。したがって、ワクチン開発の試みは主にアジアの国々で為されていた (Song and Park 2012)。2010年以降出現した変種は、哺乳期の仔猪で80 - 90%の有病率及び50 - 90%の死亡率を有すると報告されている (Bi et al. 2012; Pan et al. 2012; 及びLi et al. 2012)。最近の証拠は、中国で出現したPEDV病毒形は生ワクチン株の進化の結果の可能性があることを提唱している (Chen et al. 2010)。

【 0 0 0 5 】

ブタの腸を冒す腸疾患として、PEDVは糞便経口暴露を介して拡散する。汚染されたトラック及び設備はしばしばナイーブ動物に対する感染源である。PEDV感染の臨床徴候は伝染性胃腸炎ウイルス (TGEV) 感染と同様である (Pijpers et al. 1993)。3週齢およびそれより幼若のブタでは、臨床徴候 (急性の水様下痢、嘔吐及び脱水を含む) はPEDV感染後24時間で認められ、100%に至る死亡率が出現する。PEDVに感染した離乳期及び成長期のブタでは、雌ブタ及び雄ブタも同様に下痢及び嘔吐を起こす。これらの動物はまた食欲不振の徴候を示し、さらに無気力でありうる。より齢の進んだブタに対する完全な影響はまだ明らかではないが、飼料効率の低下、出荷に要する日数の追加、及び二次感染に対する感染動物の鋭敏性が大いに考えられる。雌ブタについては、身体状態の低下は繁殖機能に悪影響を与えうる。報告によれば、PEDVは北アメリカ家畜群で地域病となって、持続的な下痢及び他の問題を生じうる徴候があることが示唆されている。

PEDV感染動物の腸の肉眼的及び組織学的変化は、米国でも中国で観察されたものと同様であり、特に当該ウイルスはブタの腸の絨毛を破壊し、栄養素の吸収不全が生じる。Huangら (2012) は、ミネソタ及びアイオワでの流行で当該疾患により死亡した動物は、小腸に限定された肉眼病巣を有すること、及び小腸は黄色い液体で膨張した半透明の薄壁を特徴とすることを報告した。組織学的評価は、絨毛の平板化及び融合を有する複数の小腸領域並びに固有相絨毛における微小なリンパ芽球浸潤を明らかにした。

【 0 0 0 6 】

Huangら (2013) は、米国で広がった流行からPEDVの3つの異なる株 (1つはミネソタ由来及び2つはアイオワ由来) を特徴づけた (それぞれMN (GenBankアクセッション番号KF48752) 並びにIA1 (GenBankアクセッション番号KF468753) 及びIA2 (GenBankアクセッション番号KF48754) と称される)。Huangの系統的調査はPEDV株を2つの別個の遺伝子グループ (遺伝子グループ1 (G1) 及び遺伝子グループ2 (G2)) に分類した。スパイク遺伝子のN-末端ドメイン (NTD) の顕著な変化が遺伝子グループ1及び2を弁別した。Huangら (2013) は、N-末端ドメイン (NTD) の第二の欠失領域 (DR2) がDR1よりも高度な抗原性変化を有するように思われることを示唆し、出現した北アメリカ株はG1aワクチン株と抗原的関連性が低い可能性があることを提唱している。

遺伝子グループ1は少なくとも3つのクラスター1a、1b及びRを含む。サブグループ1aは、初期ヨーロッパ、中国及び韓国単離株、例えばプロトタイプCV777株 (ベルギー (1978)、GenBank: AF353511.1) 及びLZC株 (中国 (Gansu) (2006)、GenBank: EF185992) 及びSM98株 (韓国 (1998)、GenBank: GU937797.1) を含む。サブグループ1bは5つの株を含み、前記は韓国由来の1つ (DR13弱毒ワクチン株、GenBank: JQ023162.1) 及び中国由来の他の株で、後者は、nspの共通の“遺伝的シグネチャー” 8-aa欠失及びC-末端の大きなORF 3欠失によって連関を有する。グループ“R”は他の遺伝子グループの組換え体と関連する。しかしながら、新規に出現したPEDV株 (2010年以降中国で、さらに2013年以降北アメリカで生じたものを含む) は遺伝子グループG2aに属する。中国株AH2012 (GenBankアクセッション番号KC210145) 及び北アメリカ株はいくつかの固有のヌクレオチド変化を共有し、一緒になって遺伝子グループ2aでクラスターを形成する。AH2012に対するヌクレオチド同一性はMN及びIA2株については99.6%であり、IA1については99.5%であった。研究者らは、AH2012様ウイルスはことによると東部中国領域に伝播され、続いて米国に輸送され、おそらく北アメリカ株の最も近い先祖であると推測している。遺伝子グループ2aのメンバーは、遺伝子グループ1aのプロトタイプPEDV CV777株と約96.9%の類似性しか共有しない (Bridgen, et al. 1993; Huang et al. 2013; GenBank: AF353511.1)。したがって、歴史的

なCV777由来G1a株又はDR13由来G1b株をベースにする弱毒PEDVワクチンは、新規に出現した中国及び北アメリカのG2a PEDV株と抗原的関連性が低い可能性があり、したがって良好ではないワクチン候補かもしれない。

【 0 0 0 7 】

近縁北アメリカ単離株US/コロラド/2013 (GenBankアクセッション番号: KF272920.1) がまたMarthalerら (2013) によって報告された。上記の北アメリカ単離株のように、CO/13の完全なPEDVゲノムは、GenBankで入手できる他の完全なPEDVゲノムと96.5から99.5%のヌクレオチド同一性を有し、中国株AH2012 (GenBankアクセッション番号: KC210145) とのヌクレオチド同一性 (99.5%) が最も高い。前記は2a遺伝子グループのメンバーである。CO/13の完全なゲノムとPEDV参照株CV777のそれとの比較は、CO/13は1-ntの挿入 (48位) 及び5'UTR (73位及び83から86位) に5ヌクレオチドの欠失を含むことを示した。この北アメリカウイルスはゲノムの20,696及び21,125位のS1内に相違の増加を示し、82%のヌクレオチド同一性しか共有せず、いくつかの挿入/欠失を有する。

10

いくつかのPEDVワクチンが開発されている (それらはゲノム配列、デリバリー態様及び有効性が相違する)。ヨーロッパCV777株の細胞培養馴化が、PEDV流行が深刻であったアジアの国々で用いられている。これらは1990年代から使用されてきた。

1980年代初頭に、日本人研究者らは、感染ブタの下痢から原因のPEDウイルス株83P-5を単離した。クサナギら (1989) はVero細胞で前記株を単離し馴化させた。細胞培養馴化PEDV(P-5V) (83P-5)の弱毒ウイルスワクチンは1997年以降日本で雌ブタに用いられてきた。100代継代83P-5株は、日生研株式会社の弱毒PEDVワクチンとして日本での使用が認可された (Sato et al. 2011)。83P-5株の馴化及び弱毒化は、Sタンパク質の細胞外部分 (弱毒DR13株のそれと配列類似性を有する) で変異を示すことが報告された (Sato et al. 2011; 100回目継代の83P-5株のスパイク遺伝子配列を参照されたい (GenBank: AB548621.1))。この後者の日本のワクチンは有効と考えられるが、全ての雌ブタがそれらの仔豚に免疫を伝えることができるとは限らない (Usami et al. 1998)。日本株及びヨーロッパ株は遺伝子グループG1a又はG1bのメンバーである。上記で考察したように、これらの弱毒ワクチン株と前記分岐北アメリカ株との関連性は、遺伝子グループ2aの新規出現中国株よりも低い。

20

【 0 0 0 8 】

弱毒韓国PEDV株、DR13 (継代レベル100) (GenBank: JQ023162.1) (遺伝子グループG1bのメンバー) による経口ワクチン接種は、ワクチンとして有効であることが示された。このウイルス株は認可され、2004年から韓国で経口ワクチンとして用いられ、2011年にフィリピンで登録及び市販された (Song and Park 2012)。しかしながら、DR13はチャレンジ仔豚でウイルス排出持続期間を有意には変化させないことが報告されている (免疫防御が不完全であることを示唆する)。さらにまた、高度弱毒化PEDVによる経口免疫は、非常に高用量のワクチンでのみ防御を付与する (Song and Park 2012)。

30

他の既知ワクチンには、SUISHOT(商標)PT-100 (ChoongAng Vaccine Laboratories, South Korea (死滅PEDV TGEVコンビネーションワクチン))、及びSUISHOT(商標)PED (死滅PEDVワクチン) が含まれる。前記製造業者 (ChoongAng Vaccine Laboratories) が提供する株及びサブタイプは不明である。さらにまた、別の韓国企業、コミファームインターナショナル社 (Komipharm International Co.) は一連の死滅、生及びコンビネーションワクチンを提供し、商品名PRO-VAC(商標) (遺伝子グループG1aのPEDV株SM98Pを含む) で市販されている。中国企業 (Qilu Animal Health Products Factory) はまたコンビネーション死滅ワクチンを中国で市販し、前記はPEDV及びTGEVを含むが、その株及びサブタイプは不明である。

40

したがって、必要とされるものは、現在北アメリカで流行している単離株に特異的であって、PEDVによって引き起こされる疾患の臨床徴候を軽減でき、免疫動物で防御免疫 (免疫動物のウイルス排出の低下を含む) を誘発できるPEDVワクチンである。

【 発明の概要 】

【 0 0 0 9 】

50

本発明は、当該技術の欠陥を克服する免疫原性組成物、ワクチン、及び関連方法を提供する。本発明は、エンベロープを有する(+)一本鎖RNAウイルス、ブタ流行性下痢ウイルス(又はPEDV)の不活化/死滅及び/又は組換え形を含む免疫原性組成物に関する。特に、本出願は、PEDVの北アメリカ単離株に随伴する疾患からブタを防御するワクチンを提供する。本PEDV単離株BI1251-125-10(本明細書では“125-10”と称する)(配列番号:1及び配列番号:15)は病毒性北アメリカRNAウイルス株であり、遺伝子グループ2aの報告された他の北アメリカPEDVの遺伝子プロフィールと類似するプロフィールを有する。

本発明の免疫原性組成物及びワクチンは不活化/死滅PEDV(例えば化学的不活化PEDV単離株125-10(配列番号:1及び配列番号:15))を含み、典型的にはまたアジュバントを含む。当該ワクチンはまた他の成分、例えば保存料、抗菌剤、安定化剤(例えばワクチンの保存期限を延長できる安定化剤)、乳化剤、及び他のブタの病原体に対する抗原を含むことができる。

10

本発明の免疫原性組成物及びワクチンはスパイク抗原を含み、前記は、ある非限定例では、改変PEDVスパイクタンパク質(例えば、アミノ酸配列(配列番号:9)をコードする改変スパイク核酸配列(配列番号:8))を発現する組換えバキュロウイルスにより昆虫細胞で発現される。さらに、前記免疫原性組成物及びワクチンはまた典型的にはアジュバントを含む。ワクチンはまた、他の成分、例えば保存料、安定化剤、及び他のブタ病原体に対する抗原を含むことができる。

【0010】

本発明の使用に適切な好ましいスパイク核酸配列はスパイクポリペプチドをコードするポリヌクレオチドであり、前記ポリヌクレオチドは、配列番号:2、6、8及び/又は13と少なくとも80%、81%、82%、83%、84%、85%、86%、87%、88%、又は89%、より好ましくは少なくとも90%、91%、92%、93%又は94%、もっとも好ましくは少なくとも95%、96%、96.1%、96.2%、96.3%、96.4%、96.5%、96.6%、96.7%、96.8%、96.9%、97%、97.1%、97.2%、97.3%、97.4%、97.5%、97.6%、97.7%、97.8%、97.9%、98%、98.1%、98.2%、98.3%、98.4%、98.5%、98.6%、98.7%、98.8%、98.9%、99%、99.1%、99.2%、99.3%、99.4%、99.5%、99.6%、99.7%、99.8%、99.99%の配列同一性を有する。本明細書で用いられているように、“配列番号:Xとの配列同一性”又は“配列番号:Xと同一”という用語はそれぞれ、“配列番号:Xの全長にわたって配列番号:Xの配列との配列同一性”又は“配列番号:Xの全長にわたって配列番号:Xの配列と同一”という用語と等価であることは特に理解されよう(この関係では“X”は1、2、6、13及び15から選択される任意の整数である)。

20

30

本発明の使用に適切な好ましいスパイクポリペプチドは、配列番号:3、7、9及び/又は14と少なくとも80%の相同性、例えば配列番号:3、7、9及び/又は14と少なくとも85%の相同性、例えば配列番号:3、7、9及び/又は14と少なくとも90%の相同性、例えば配列番号:3、7、9及び/又は14と少なくとも95%の相同性、少なくとも98%、又は少なくとも99%の相同性を有する、配列番号:3、7、9及び/又は14に示される配列を有するポリペプチドである。

【0011】

“ワクチン”及び“免疫原性組成物”という用語は本明細書では広い意味で定義され、当該ワクチンを接種された動物で免疫応答を刺激することができる、投与可能な形態にある任意のタイプの生物学的薬剤を指す。一般的に、ワクチンは、ウイルスそのもの(例えば死滅/不活化又は弱毒)又はウイルスの免疫原性(抗原性)成分をベースにすることができる。本発明のある実施態様では、ワクチン(免疫原性組成物)は、好ましくは死滅/不活化形のウイルス性薬剤又はサブユニットワクチンとして提示されるウイルスの抗原性部分を含む。本明細書では、ワクチンを指して用いられる“防御”という用語は、問題の疾患又は症状に随伴する徴候のいずれかの緩和(部分的又は完全な緩和)を指す。したがって、本ワクチンによるブタのPEDVからの防御は、一般的にはウイルス排出及び/又はPEDV感染に随伴する1つ以上の臨床症状(例えば急性水様性下痢、急性嘔吐、脱水、食欲不振、無気力、抑うつ、及び10日齢未満のブタの高死亡率)の軽減をもたらす。

40

当業者には、本明細書で用いられる組成物は、公知の注射可能な生理学的に許容できる無菌的溶液を取り込むことができることは理解されよう。非経口的注射又は輸液用の調製

50

済み溶液の調製のために、等張水溶液、例えば食塩水又は血漿タンパク質溶液を容易に入手できる。加えて、本発明の免疫原性及びワクチン組成物は、獣医用の許容可能な担体、希釈剤、等張薬剤、安定化剤又はアジュバントを含むことができる。

【0012】

本発明の方法は対象でPEDV感染に対して免疫応答を誘発する（ただし前記に限定されない）方法を含み、前記方法は、不活化/死滅PEDV、弱毒PEDV、及び/又はスパイク抗原を含む免疫原性組成物を対象に投与する工程を含む。好ましくは、当該免疫応答は2つ以上の血清型又はPEDV株に対して誘発される。本発明の組成物を用いてPEDV感染を予防することができる。好ましくは、そのような免疫応答は、1つ以上のPEDV血清型の感染に随伴するか又は前記によって引き起こされる1つ以上の臨床徴候の発生率又は重篤度を低下させる

10

ここで、本発明の組成物を投与することができる適切な対象又はその必要がある対象には、ウイルス関連感染、疾患又は症状の予防的処置を必要とする動物が含まれる。本発明の組成物又は方法の使用によって免疫応答が刺激される動物には、家畜、例えばブタ、ウシ、家禽（例えばニワトリ、アヒル、カモ、又はシチメンチョウ）、ヤギ及びヒツジ、並びに家庭内動物（例えばマウス、ウサギ、イヌ、ネコ及びウマ）が含まれる。好ましい動物には、ブタ類、ネズミ類、ウマ類、ウサギ類及びウシ類が含まれる、もっとも好ましくは、免疫応答はブタで刺激される。

本発明はまた、PED感染に随伴するか又は前記によって引き起こされる1つ以上の臨床徴候の発生率又は重篤度を低下させる方法を提供し、前記方法は、本明細書で提供される不活化/死滅PEDVワクチン及び/又はスパイク抗原との組合せ、及び好ましくは担体分子を含む本発明の免疫原性組成物を投与する工程を含み、そのようにしてPEDV感染の臨床徴候の発生率又は重篤度を、本明細書に提供する免疫原性組成物を与えられなかった対象と比較して、少なくとも10%、好ましくは少なくとも20%、より好ましくは少なくとも30%、さらに好ましくは少なくとも50%、さらに好ましくは少なくとも70%、もっとも好ましくは100%低下させる。そのような臨床徴候には水様下痢、嘔吐、及び脱水が含まれる。これらの臨床徴候のいずれも、2aの遺伝子グループを有するPEDV又は任意の他のPEDV遺伝子グループ（G1a、G1b又はG2bを含む）による感染から生じうる。

20

【0013】

ある実施態様では、本免疫原性組成物はPEDVの化学的不活化形を含む。化学的に不活化されたPEDV（配列番号:1又は配列番号:15）ウイルスを含むワクチンが特に望ましい。当業者に公知の多様な化学的不活化剤を用いて、ウイルスを不活化できる。エチレンイミン及び関連誘導体、例えばバイナリーエチレンイミン（“BET”）及びアセチルエチレンイミンが、PEDウイルス不活化で使用される適切な化学不活化剤の例である。他の化学不活化剤、例えばベータ-プロピオラク톤又はアルデヒド（例えばホルムアルデヒド及びグルタルアルデヒド）もまたこのウイルスの不活化に用いることができる。

30

本免疫原性組成物及び/又はワクチンは一般的にアジュバントを含み、特にウイルスが鼻内投与できるように設計される場合、前記アジュバントは望ましくは生体付着特性を有することができる。適切なアジュバントの例には、架橋オレイン性不飽和カルボン酸ポリマー、例えば架橋アクリル酸ポリマーが含まれる。本明細書で用いられる“架橋アクリル酸ポリマー”という用語は、混合物中に主要なモノマーとしてアクリル酸を含むモノマー混合物から形成されるポリマー及びコポリマーを指す。適切な架橋アクリル酸ポリマーの例には、商品名CARBOPOL（商標）934P及びCARBOPOL（商標）971（以下から入手できる：B.F. Goodrich Co., Cleveland, Ohio）で市場から入手できるものが含まれる。本発明で 사용되는特に適切なあるアジュバントは架橋アクリル酸ポリマーで、ブルックフィールド粘度が約20,000cPsを超えないものである（1.0wt.%水溶液としてpH7.5、20rpmで測定される）。生体付着性アジュバントが使用される場合、新しく切り出したウサギの胃の2組織片の間で測定したとき少なくとも約50dyne/cm²の生体付着性を有するアジュバントを利用するのが有利でありうる（米国特許4,615,697に記載の手順によって決定される）。

40

【0014】

50

本発明はまた対象を免疫する方法に関し、前記方法は本明細書に記載の免疫原性組成物のいずれかを投与する工程を含む。

“免疫する”という用語は、免疫されるべき対象に免疫原性組成物を投与し、それによってそのような免疫原性組成物に含まれる抗原に対して免疫学的応答を引き起こすことによる能動免疫を指す。

好ましくは、免疫は、群れにおける個々のPEDV感染の発生の低下又は個々のPEDV感染によって引き起こされるか、又は前記感染に随伴する臨床徴候の重篤度の軽減をもたらす。

さらにまた、その必要がある対象の本明細書で提供する免疫原性組成物による免疫は、PEDV感染による対象の感染の予防をもたらす。さらに好ましいことには、免疫は、PEDV感染に対する効果的で長期持続性の免疫学的応答をもたらす。前記期間は、2カ月を超えて、好ましくは3カ月を超えて、より好ましくは4カ月を超えて、より好ましくは5カ月を超えて、より好ましくは6カ月を超えて持続することは理解されよう。免疫は全ての免疫された対象で有効であるとは限らないことは理解されるべきである。

【0015】

好ましくは、本文脈では、通常の状態では（すなわち免疫されていない状態では）PEDV感染で通常引き起こされるか、又はPEDV感染に随伴する臨床徴候を発達させる、対象の群れが想定される。対象の群れが効果的に免疫されるか否かは、当業者は容易に決定できる。好ましくは、ある群れの対象の少なくとも20%、少なくとも30%、少なくとも40%、少なくとも50%、少なくとも60%、少なくとも70%、少なくとも80%、少なくとも90%、さらに好ましくは少なくとも95%、もっとも好ましくは100%で臨床徴候が、免疫されなかった対象、或いは本発明以前に入手可能であった免疫原性組成物で免疫されたがその後で個々のPEDVに感染した対象と比較して、その発生率又は重篤度において少なくとも10%、より好ましくは少なくとも20%、さらに好ましくは少なくとも30%、さらに好ましくは少なくとも40%、さらに好ましくは少なくとも50%、さらに好ましくは少なくとも60%、さらに好ましくは少なくとも70%、さらに好ましくは少なくとも80%、さらに好ましくは少なくとも90%、さらに好ましくは少なくとも95%、もっとも好ましくは100%低下させるならば免疫は有効であろう。

その必要がある対象でPEDVによって引き起こされる臨床徴候を予防する方法、又はPEDVに随伴する疾患からブタを防御する方法は、不活化/死滅PEDV及び/又はスパイク抗原を含む免疫原性組成物及び/又はワクチンをブタに投与する工程を含む。ワクチンは、多様な方法（鼻内、経口及び/又は非経口（例えば筋肉内）投与を含む）を用いて投与できる。本方法のある実施態様では、不活化PEDV含有ワクチンは筋肉内に1回以上投与される（例えば2 - 4週間間隔で）。当該方法の別の実施態様では、例えば、不活化PEDV含有ワクチンは経口的に1回以上投与される（例えば2 - 4週間間隔で）。また別の実施態様では、経口投与に続いて及び/又は経口投与に先行して、少なくとも1回の筋肉内ワクチン投与が実施される（例えばワクチンの非経口投与の2 - 4週間後及び/又は前）。理想的には、当該疾患の症状の拡散を防ぐために、ある群れの全てのブタが所定の間隔でワクチン接種される。

【0016】

不活化/死滅PEDワクチンを製造する方法もまた提供される。前記方法は、典型的にはサル細胞にPEDウイルス（例えばPEDウイルス配列番号:1又は配列番号:15）を接種する工程を含む。一般的には少なくともCPEが観察されるまで接種したサル細胞をインキュベートし（通常は37℃で24から120時間後）、続いてインキュベート細胞からPEDウイルスを採集する（例えば培養液をデカントして過することによる）。採集したウイルス含有液を化学的不活化剤（例えばバイナリーエチレンイミン）で処理し、不活化/死滅PEDウイルスを形成できる、典型的には、不活化ウイルスはさらに、例えば濃縮及び他の成分とブレンドすることによって処理され、販売処方物が製造される。例えば、不活化ウイルスを含む液体は濃縮され、アジュバント及び/又は1つ以上の他のブタ病原体に対する抗原とブレンドされうる。

改変PEDVスパイクタンパク質を発現する組換えバキュロウイルスにより、昆虫細胞で生

成される組換え発現スパイク抗原ワクチンを製造する方法もまた提供される。ある例示的实施態様では、前記方法は、PEDVスパイクシグナルペプチド、トランスメンブレンドメイン及びC-末端ドメインを除去するために改変されたPEDVスパイクコード配列（配列番号:7）をベクター（VSVG-PEDVS-VSVG DNA配列（配列番号:8））でクローニングし、Sf9昆虫細胞に共トランスフェクトする工程を含む。不活化組換えPEDV材料のために、PEDVバキュロウイルス採集物を5mM BEIを用いて24時間不活化し、清澄化してさらに0.45 µmフィルターでろ過した。典型的には、不活化ウイルスはさらに、例えば濃縮及び他の成分によるブレンドによって処理され、販売処方物が製造される。例えば、不活化ウイルスを含む液体は濃縮され、アジュバント及び/又は1つ以上の他のブタ病原体に対する抗原とブレンドされる。

10

本発明はまた、（1）ワクチンをブタに投与することができるディスペンサー；及び（2）PEDV関連疾患を防ぐことができる化学不活化PEDV及び/又は組換えスパイク抗原含有ワクチン、を組み合わせて含むキットに関する。当該キットは、その内容物を小滴として（例えばエアロゾル、微粒化スプレー及び/又は液滴として）分配できるディスペンサー、及び、例えば鼻内及び/又は筋肉内に投与されたときPEDV関連疾患を防ぐことができるワクチン形を含むことができる。

本出願を通して、本文書は本発明の組成物及び/又は関連方法の多様な実施態様に言及する。記載される多様な実施態様は多様な例示的实施例を提供することを意図し、代替種の説明と解釈されるべきではない。そうではなくて、本明細書に提供する多様な実施態様は重複範囲を述べていることに留意されるべきである。本明細書で考察される実施態様は単なる例示であり、本発明の範囲を限定することを意図しない。

20

【0017】

以下の図面は本明細書の部分を構成し、本発明のある種の特徴をさらに明示するために含まれている。本発明は、本明細書に提示する具体的な実施態様の詳しい記述と一緒にこれらの図面の1つ以上を参照することによってなお一層理解されうるのである。

【図面の簡単な説明】

【0018】

【図1】 PEDV 1251-125-10（125-10）ゲノム（配列番号:1）と最も近い中国PEDV株AH2012（GenBankアクセッション番号:KC210145）（配列番号:10）とのDNAアラインメント。

【図2】 PEDV 1251-125-10（125-10）ゲノム（配列番号:1）と最も近い北アメリカPEDV株コロラド2013（GenBankアクセッション番号:KF272920）とのDNAアラインメント。

30

【図3】 PEDV 1251-125-10（125-10）スパイクタンパク質（配列番号:14）と北アメリカコロラド株に対応する最も近いGenBank配列（GenBankアクセッション番号:AG058924）（配列番号:12）とのアミノ酸配列アラインメント。

【図4】 抗PEDV-IgG ELISAデータのグラフである（D-1、14、28及び49についての抗PEDV-IgG S:P比の群最小二乗平均±標準誤差）。

【図5】 抗PEDV-IgA ELISAデータのグラフである（D-1、14、28及び49についての抗PEDV-IgG S:P比の群最小二乗平均±標準誤差）。

【発明を実施するための形態】

【0019】

40

本発明は、PEDVの不活化/死滅形、及び/又は組換え発現PEDVスパイク抗原を含む免疫原性組成物を提供する。当該ワクチンは、PEDV関連疾患からブタを防御するために設計される。ワクチンは典型的にはPEDVの化学的不活化形を含み、化学的不活化/死滅PEDVウイルスを含むものが特に所望される。別の実施態様では、本ワクチンは、組換え発現スパイク抗原、例えば改変PEDVスパイクタンパク質を発現する組換えバキュロウイルスにより昆虫細胞で生成される、組換え発現スパイク抗原を含む。

本発明のある実施態様は、PEDV遺伝子型2aの1つ以上の抗原を含むワクチンでありうる。好ましい実施態様では、PEDVは北アメリカ起源である。より好ましくは、北アメリカ遺伝子型のPEDVは以下の任意のPEDVである：配列番号:1によってコードされるか又は配列番号:1の配列を含むPEDV；及び/又は、配列番号:1のRNA等価物を含むPEDV；配列が配列番号

50

:1と少なくとも99%同一であるPEDV；及び/又は配列番号:1のRNA等価物と少なくとも99%同一であるPEDV；スパイクタンパク質が配列番号:2、6、8又は13の核酸配列によってコードされるPEDV；スパイクタンパク質が配列番号:2、6、8又は13と少なくとも90%同一である核酸配列によってコードされるPEDV；配列番号:15によってコードされるPEDV；又はその配列が配列番号:15と少なくとも99%同一であるPEDV。

【0020】

本発明の他の好ましい実施態様では、ワクチンは組換えワクチン又は死滅ワクチンである。本発明の例示的な実施態様では、PEDVは、例えば化学的不活化剤による処理によって化学的に不活化され、前記不活化剤は、エチレンイミン、バイナリーエチレンイミン、アセチルエチレンイミン及び前記の混合物から成る群から選択される化合物を含む。好ましい実施態様では、PEDVはバイナリーエチレンイミンによる処理によって化学的に不活化される。

10

さらに他の本発明の実施態様では、ワクチンはさらにアジュバントを含む。好ましい実施態様では、アジュバントはEMULSIGEN(商標)系水中油エマルジョンである。

本発明のある実施態様では、ワクチンは組換えワクチンである。好ましい実施態様では、そのような組換えワクチンは1つ以上の免疫原性成分を含み、前記免疫原性成分は、PEDVスパイクタンパク質の抗原をコードする単離核酸(当該組換えスパイクポリペプチドは配列番号:3、7、9又は14と少なくとも90%の相同性を有する)、a)の単離核酸を含むベクター、a)の核酸によってコードされる組換えPEDVスパイクタンパク質、及び/又は前記の任意の組み合わせから成る群から選択される。場合によって、そのような組換えワクチンは医薬的に許容できる担体及び/又は賦形剤を含む。ある実施態様では、賦形剤は1つ以上のアジュバントである。好ましくは、アジュバントはEMULSIGEN(商標)水中油エマルジョン系アジュバントである。

20

本発明のさらに別の特徴では、組換えワクチンはさらに1つ以上の追加の抗原を含み、例えば、追加の抗原はPEDVの構造タンパク質M、E又はNでありうる。

別の実施態様では、組換えワクチンは、単離核酸、ベクター、組換えPEDVスパイクタンパク質、及び/又は後者の少なくとも2つの組み合わせであることができる免疫原性成分を含む。

【0021】

本発明の実施態様はまた、PEDV関連疾患に対して臨床徴候を予防するか及び/又はブタを防御する方法を含み、前記方法は、本明細書に記載した死滅/不活化及び/又は組換えワクチンのいずれかをそのようなブタに投与する工程を含む。例えば、投与されるワクチンは、遺伝子型2aのPEDVの1つ以上の抗原を含む。好ましい実施態様では、PEDVは北アメリカ起源である。より好ましくは、北アメリカ遺伝子型のPEDVは以下の任意のPEDVである：配列番号:1の配列によってコードされるか又は前記を含むPEDV；その配列が配列番号:1と少なくとも99%同一であるPEDV；そのスパイクタンパク質が配列番号:2、6、8又は13の核酸配列によってコードされるPEDV；及び/又はそのスパイクタンパク質が配列番号:2、6、8又は13と少なくとも90%同一の核酸配列によってコードされるPEDV。

30

別の実施態様では、前記方法は1つ以上の免疫原性成分を含むワクチンの投与を含み、前記免疫原性成分は、以下のPEDVから成る群から選択される：配列番号:1によってコードされるか又は配列番号:1の配列を含むPEDV；及び/又はRNA等価物(配列番号:16)を含むPEDV；その配列が配列番号:1と少なくとも99%同一であるPEDV；及び/又はRNA等価物(配列番号:15)と少なくとも99%同一であるPEDV；そのスパイクタンパク質が配列番号:2、6、8又は13の核酸配列によってコードされるPEDV；そのスパイクタンパク質が配列番号:2、6、8又は13と少なくとも90%同一である核酸配列によってコードされるPEDV；配列番号:15によってコードされるPEDV；又はその配列が配列番号:15と少なくとも99%同一であるPEDV。

40

別の実施態様では、前記方法は1つ以上の免疫原性成分を含むワクチンの投与を含み、前記免疫原性成分は、PEDVスパイクタンパク質の抗原をコードする単離核酸(当該組換えスパイクポリペプチドは配列番号:3、7、9又は14と少なくとも90%の相同性を有する)、a

50

)の単離核酸を含むベクター、a)の核酸によってコードされる組換えPEDVスパイクタンパク質、及び/又は前記の任意の組み合わせから成る群から選択される。

【0022】

本発明のさらに別の実施態様は、PEDV関連疾患に対してブタをワクチン免疫するためのキットを含み、前記キットは、ワクチンをブタに投与することができるディスペンサー及び本明細書に記載するPEDVワクチンを含む。

本発明の実施態様は、請求項5に記載のブタ流行性下痢ワクチンを製造する方法を含み、前記方法は以下の工程を含む：(a)サル細胞にPEDVを接種する工程；(b)接種したサル細胞をインキュベートする工程；(c)接種細胞からPEDVを採集する工程；及び(d)採集細胞を化学的不活化剤（好ましくは、エチレンイミン、バイナリーエチレンイミン、アセチルエチレンイミン又は前記の混合物から成る群から選択される化合物）で処理し、不活化PEDVワクチンを形成する工程。好ましい実施態様では、前記方法は以下のPEDVを含む：配列番号:1によってコードされるか又は配列番号:1の配列を含む；及び/又は、配列番号:1のRNA等価物を含むPEDV；その配列が配列番号:1と少なくとも99%同一である；及び/又は配列番号:1のRNA等価物と少なくとも99%同一である；そのスパイクタンパク質が配列番号:2、6、8又は13の核酸配列によってコードされる；そのスパイクタンパク質が配列番号:2、6、8又は13と少なくとも90%同一である核酸配列によってコードされる；配列番号:15によってコードされる；又はその配列が配列番号:15と少なくとも99%同一である。

ある実施態様では、前記方法は、配列番号:1及び/又は配列番号:15を含む遺伝子グループ2aのPEDVを含む。前記方法のまた別の実施態様では、接種されるサル細胞はVero細胞である。前記方法の好ましい実施態様では、化学的不活化剤にはバイナリーエチレンイミンが含まれる。前記方法はさらに、PEDVワクチンにアジュバントを添加する工程を含むことができ、好ましくは、アジュバントはEMULSIGEN(商標)水中油エマルジョン系アジュバントである。

【0023】

本発明の別の実施態様は組換えワクチンを製造する方法を含み、前記方法は、宿主細胞でPEDVの1つ以上の抗原を発現させる工程、及びPEDV発現細胞から1つ以上の抗原を採集する工程を含む。そのような実施態様の1つでは、前記方法は1つ以上の抗原を含み、前記抗原は、PEDVスパイクタンパク質の抗原をコードする単離核酸（当該組換えスパイクポリペプチドは配列番号:3、7、9又は14と少なくとも90%の相同性を有する）、a)の単離核酸を含むベクター、a)の核酸によってコードされる組換えPEDVスパイクタンパク質、及び前記の任意の組み合わせを含む。ある例示的な実施態様では、PEDVの1つ以上の抗原は組換えバキュロウイルスベクターによって発現される。前記方法は、昆虫細胞で発現されるPEDVの1つ以上の抗原を含むことができる。ある実施態様はさらに、当該PEDVワクチンへのアジュバントの添加を含み、好ましくは、アジュバントはEMULSIGEN(商標)水中油エマルジョン系アジュバントである。

より一般的な関係では、当業者に公知の多様な化学的不活化剤を用いて、当該ウイルスを不活化することができる。エチレンイミン及び関連する誘導体、例えばバイナリーエチレンイミン(BEI)及びアセチルエチレンイミンが、PEDVウイルスの不活化で使用される適切な化学不活化剤の例である。他の化学不活化剤、例えばベータ-プロピオラクトン、アルデヒド（例えばホルムアルデヒド）及び/又は洗剤（例えばTween(商標)洗剤、Triton(商標)X又はアルキルトリメチルアンモニウム塩）もまたウイルスの不活化に用いることができる。不活化は、当業者に公知の標準的な方法を用いて実施できる。サンプルを周期的な時間間隔で処理し、残留する生存ウイルスをアッセイすることができる。適切な細胞株における細胞変性効果及び/又は適切な特異的モノクローナル抗体又はポリクローナル抗体による蛍光染色のモニタリングを用いて、残留生存ウイルスの存在を検出できる。

【0024】

BEIによる不活化は、ストックBEI溶液（例えば0.1 - 0.2Mの2-プロモ-エチルアミンヒドロクロリドを0.1 - 0.2NのNaOH水溶液に添加することによって生成される溶液）をウイルス液と約1 - 5mMのBEI最終濃度で混合することによって達成できる。不活化は、一般的に

はBEI-ウイルス混合物を35 - 40 (例えば37)で定常的に混合しながら24 - 72時間保持することによって実施される。ウイルス不活化は、チオ硫酸ナトリウム溶液をBEI濃度過剰の最終濃度に添加し続いて混合することによって停止させることができる(例えば、BEIの体積の17%でチオ硫酸ナトリウムを添加して過剰なBEIを中和する)。

本免疫原性組成物は通常アジュバントを含み、さらに所望の場合には、1つ以上の乳化剤(例えばTween(商標)洗剤)が不活化/死滅PEDVに取り込まれる。適切なアジュバントには、例えばビタミンEアセテートソルビリゼート、水酸化アルミニウム、リン酸アルミニウム又は酸化アルミニウム(鉱物)油エマルジョン、非イオン性洗剤、スクアレン及びサポニンが含まれる。使用できる他のアジュバントには油基剤アジュバント、例えばフロイントの完全アジュバント(FCA)及びフロイントの不完全アジュバント(FIA)が含まれる。架橋オレフィン性不飽和カルボン酸ポリマー、例えばCARBOPOL(商標)971ポリマーが、本不活化PEDV免疫原性組成物での使用に特に適切なアジュバントであることが見出されている。

適切な水中油エマルジョンの例は、EMULSIGEN(商標)系アジュバント、例えばEMULSIGEN(商標)(水中油エマルジョン)、EMULSIGEN-D(商標)(水中油)(臭化ジメチルジオクタデシルアンモニウムを含む(DDA))、EMULSIGEN-P(商標)(水中油)(特許の免疫刺激物を含む)、EMULSIGEN-75(商標)(架橋ポリマーを含む水中油を構成する二重アジュバント)、及びEMULSIGEN(商標)-BCL(動物起源の成分を含まない水中油エマルジョン)(MVP Technologies, Inc. Omaha, Nebr., USA)である。不活化PEDV又は組換えPEDVタンパク質を含む医薬/ワクチン組成物は、水中油エマルジョン、好ましくはそのようなEMULSIGEN(商標)系アジュバント、より好ましくはEMULSIGEN(商標)(動物起源の成分を含まない水中油エマルジョン)及びEMULSIGEN(商標)-BCL(動物起源の成分を含まない水中油エマルジョン)により効果的に免疫賦活が補助された。

【0025】

投与の容易さ及び投薬の均一性のために単位剤形で本組成物を処方することが一般的に有益である。本明細書で用いられる単位剤形は、治療されるべき対象哺乳動物に対する一元的投薬として適切な物理的に別個の部分から成るユニットを指し、各ユニットは、所望の治療効果を生じるように計算された予め定めた量の活性物質を必要な医薬担体と一緒に含む。不活化/死滅PEDV及び/又は組換え発現PEDV抗原の単位剤形の詳細は、他の要件の中で特に以下によって決定づけられかつ左右される：(a)活性物質の特徴及び達成されるべき個々の治療効果；(b)疾患の治療のためにそのような活性物質の調合技術における固有の限界；及び(c)単位剤形の意図される投与態様。

主要な活性成分は、本明細書に開示する単位剤形に適した医薬的に許容できる担体とともに、典型的には便利で効果的な投与のために調合される。単位剤形は、例えば1から5相対有効単位(relative potency unit; "RPU")の範囲の量でPEDV抗原を含むことができる。この抗原量は、一般的には担体の約1から約25/mLで存在する。補充活性成分を含む組成物の場合、投薬量は、当該補充活性成分の通常の用量及び投与態様を参考にして決定される。

本ワクチンは、典型的には医薬的に許容できる担体とともに処方される不活化PEDVを含む。注射可能な使用に適切な医薬形は、一般的には無菌的水溶液(水溶性の場合)又は分散物、及び無菌的注射可能溶液又は分散物の即席調製のための無菌的散剤を含む。処方物は、望ましくは無菌的でありかつ容易な注射針通過性が存在する程度に流動性であるべきである。投薬形は製造及び貯蔵条件下で安定であるべきであり、典型的には微生物(例えば細菌及びカビ)の汚染作用に対抗して保存される。担体は溶媒又は分散媒体であることができ、例えば水、エタノール、ポリオール(例えばグリセロール、プロピレングリコール、液体ポリエチレングリコールなど)、前記の適切な混合物及び植物油を含む。可能な担体の1つは生理学的な塩溶液である。溶液の適切な流動性は、例えばコーティング(例えばレシチン)の使用によって、分散物の場合は必要な粒子サイズの維持によって、及び界面活性剤の使用によって維持できる。微生物作用の防止は、多様な抗菌及び抗カビ剤、例えばパラベン、クロロブタノール、フェノール、ソルビン酸、チメロサル(エチル水

銀チオサリチル酸ナトリウム)、デオマイシン、ゲンタマイシンなどによってもたすことができる。多くの事例で、好ましくは等張剤(例えば糖類又は塩化ナトリウム)を含むことができる。所望の場合には、注射可能組成物の吸収長期化は、当該組成物で吸収延長薬剤(例えばモノステアリン酸アルミニウム及びゼラチン)を使用することによってもたらされうる。

【0026】

無菌的な注射可能溶液は、所望量の不活化ウイルスを適切な溶媒に必要とされる上記列挙の多様な他の成分とともに取り入れ、続いて過滅菌することによって調製できる。一般的に、分散物は、多様な活性成分を無菌的ビヒクルに取り入れることによって調製できる。前記ビヒクルは、基本分散媒体及び上記に列挙したものに由来する必要な他の成分を含む。無菌的な注射可能溶液の調製のための無菌的散剤の場合には、好ましい調製方法は、真空乾燥及び凍結乾燥技術であり、前記は、活性成分に加えて以前に滅菌過されたその溶液に由来する任意の追加された所望成分を含む散剤を生じる。

本組成物に安定化剤を添加して、不活化ウイルスの安定性を改善することはまた有益でありうる。適切な安定化剤には、例えばグリセロール/EDTA、炭水化物(例えばソルビトール、マンニトール、トレハロース、デンプン、シュクロース、デキストラン又はグルコース)、タンパク質(例えばアルブミン又はカゼイン)及びタンパク質分解産物(例えば部分水解ゼラチン)が含まれる。所望の場合には、処方物を当業界で公知の方法によって以下の試薬(例えばリン酸アルカリ金属、例えばリン酸水素ナトリウム、リン酸二水素ナトリウム、リン酸水素カリウム及び/又はリン酸二水素カリウム)を用いて緩衝することができる。他の溶媒、例えばエタノール又はプロピレングリコールを用いてワクチン処方物における成分の溶解性及び/又は溶液の安定性を高めることができる。本処方物で用いることができるさらに別の添加物には、通常の抗酸化剤及び通常のキレート剤、例えばエチレンジアミン四酢酸(EDTA)が含まれる。

【0027】

本発明の組成物及び方法は以下の実施例で詳述されるが、それらは、本発明を例示しこれらの製造及び使用態様の当業者への教示を容易にするために提示される。これらの実施例は本発明の範囲を狭め或いは制限することを一切意図するものではない。

本発明の実施には、特段の指示がなければ、分子生物学、微生物学、組換えDNA技術、タンパク質化学及び免疫学の通常の技術が用いられるであろう(前記は当業界の技術範囲内である)。そのような技術は文献で十分に解説されている。例えば以下を参照されたい: Sambrook, Fritsch & Maniatis, *Molecular Cloning: A Laboratory Manual*, Vols. I, II and III, Second Edition, 1989; *DNA Cloning*, Vols. I and II (D. N. Glover ed. 1985); *Oligonucleotide Synthesis* (M. J. Gait ed. 1984); *Nucleic Acid Hybridization* (B. D. Hames & S. J. Higgins eds. 1984); *Animal Cell Culture* (R. K. Freshney ed. 1986); *Immobilized Cells and Enzymes* (IRL press, 1986); Perbal, B., *A Practical Guide to Molecular Cloning*, 1984; 以下のシリーズ、*Methods In Enzymology* (S. Colowick and N. Kaplan eds., Academic Press, Inc.); *Protein purification methods - a practical approach* (E.L.V. Harris and S. Angal, eds., IRL Press at Oxford University Press); 及び *Handbook of Experimental Immunology*, Vols. I-IV (D. M. Weir and C. C. Blackwell eds., 1986, Blackwell Scientific Publications)。

本発明は個々のDNA、RNA、ポリペプチド配列、又はプロセスパラメーターに限定されず、したがってもちろん変動しうることは理解されよう。さらにまた、本明細書で用いられる用語は本発明の個々の実施態様を記載するためであり、限定を意図するものではないことは理解されよう。本明細書及び添付の特許請求の範囲で用いられるように、単数形“a”、“an”及び“the”は、当該内容が明確にそうではないことを示さない限り複数の該当物も含むことは特記されねばならない。したがって、例えば、“an antigen”と言えは2つ以上の抗原の混合物を含み、“an excipient”と言えは2つ以上の賦形剤の混合物を含むということなどである。

【0028】

定義：

特段の指示がなければ、本明細書で用いられる全ての技術用語及び学術用語は、本発明がその出願時点で関係する技術分野の業者が一般的に理解する意味と同じ意味を有する。当該用語の意味及び範囲は明瞭であるべきであるが、何らかの隠れた曖昧さが存在する場合には、ここで提供する定義が一切の非本質的及び標準的定義に優先する。さらにまた、文脈によって特段に必要とされない限り、単数用語は複数形を含み、複数用語は単数形を含むであろう。本明細書では、特段の規定がなければ、“or（又は）”の使用は“and/or（及び/又は）”を意味する。さらにまた、“including（含む）”という語の使用は、他の形態（例えば“includes”及び“included”）と同様に限定的ではない。本明細書で引用する全ての特許及び刊行物は参照により本明細書に含まれる。

10

“疾患からの防御”、“防御免疫”、“機能的免疫”及び同様な語句は、本発明の1つ以上の治療組成物又はその組合せの投与によって生じる、疾患又は症状に対する応答を意味し、前記応答は、疾患又は感染に暴露された非免疫動物で予想されるよりも少ない有害作用をもたらす。すなわち、当該感染の有害作用の重篤度はワクチンが接種された対象で軽減される。感染は、ワクチン接種対象動物で減少し、減速し、又は完全に予防される可能性がある。完全な感染阻止を意味する場合には、それは明確に記述される。完全な阻止が記述されてなければ、その場合には前記用語は部分的阻止を含む。

【0029】

本明細書では、“臨床徴候の発生率及び/又は重篤度の低下”又は“臨床症状の軽減”は、限定するものではないが、野生型感染と比較して、1つの群の感染対象動物の数の減少、感染の臨床徴候を示す対象動物の数の減少又は排除、又は1頭以上の対象動物に存在する任意の臨床徴候の重篤度の軽減を意味する。例えば、前記は、病原体負荷、病原体排出のいずれかの低下、病原体伝播の軽減、又はPEDVの任意の臨床徴候、症状の緩和を指すはずである、好ましくは、これらの臨床徴候は、前記組成物を投与されずに感染した対象動物と比較して、本発明の治療組成物を投与された1頭以上の対照動物で少なくとも10%軽減される。より好ましくは、臨床徴候は、本発明の組成物を投与された対象動物で少なくとも20%、好ましくは少なくとも30%、より好ましくは少なくとも40%、さらに好ましくは少なくとも50%軽減される。

20

“高められた防御”という用語は、限定するものではないが、それぞれワクチン接種対象群対非接種コントロール対象群における、感染性因子（好ましくはPEDV）の感染に随伴する1つ以上の臨床症状の統計的に有意な軽減を意味する。“臨床症状の統計的に有意な軽減”という用語は、ワクチン接種対象群における少なくとも1つの臨床症状の発生の頻度が、当該感染性因子チャレンジ後のワクチン非接種コントロール群よりも少なくとも10%、好ましくは20%、より好ましくは30%、さらに好ましくは50%、さらに好ましくは70%低いことを意味する（ただし前記に限定されない）。

30

【0030】

“長期持続防御”は、少なくとも3週間、しかしより好ましくは少なくとも3カ月、さらに好ましくは少なくとも6カ月持続する“有効性改善”を指すであろう。家畜の場合には、長期持続防御は動物が肉として出荷される平均齢まで持続するのが最も好ましい。

“免疫原性又は免疫学的組成物”は、少なくとも1つのブタ流行性下痢ウイルス又はその免疫原性部分を含む物質の組成物であって、当該組成物に対して細胞性又は抗体媒介免疫応答を宿主で誘引するものを指す。本発明の好ましい実施態様では、免疫原性組成物は免疫応答を誘発し、さらに好ましくはPEDV感染の臨床徴候の1つ以上に対して防御免疫を付与する。

40

本明細書で用いられる免疫原性組成物はまた、本明細書に記載するPEDVスパイクタンパク質のいずれかを含む組成物を指す。さらに別の実施態様にした例えば、そのような免疫原性組成物はさらに、前記PEDVスパイクタンパク質を発現するウイルスベクター、好ましくは組換えバキュロウイルスの少なくとも一部分を含む。さらにまた、前記免疫原性組成物は、i) 上記に記載の濃度の上記に記載のPEDVタンパク質のいずれか、ii) 前記PEDVスパイクタンパク質を発現するウイルスベクター、好ましくは組換えバキュロウイルスの少

50

なくとも一部分、及びiii)細胞培養上清の一部分を含むことができる。

したがってある特徴によれば、本発明は、ブタの群れでPEDV感染のパーセンテージを低下させる方法に関し、前記方法は、有効量のPEDVスパイク抗原又はPEDV抗原を含む免疫原性組成物（前記PEDV抗原は、組換えPEDVスパイク抗原、好ましくはバキュロウイルス発現PEDVスパイクタンパク質）を前記ブタに投与する工程を含む。好ましくは、そのような組換え体又はバキュロウイルス発現PEDVスパイクは本明細書に記載の配列を有する。

【0031】

“免疫応答”又は“免疫学的応答”は、限定するものではないが、問題の組成物又はワクチンに対する細胞性及び/又は抗体媒介免疫応答の発生を意味する。通常は、免疫又は免疫学的応答は以下の作用の1つ以上を含む（ただしこれらに限定されない）：問題の組成物又はワクチンに含まれる1つの抗原又は複数の抗原を特異的に指向する抗体、B細胞、ヘルパーT細胞、サプレッサーT細胞、及び/又は細胞傷害性T細胞の生産又は活性化。好ましくは、宿主は治療的又は防御的な免疫学的（メモリー）応答を示し、そのようにして新規な感染に対する抵抗性が強化されるか、及び/又は当該疾患の臨床的重篤度が低下するであろう。そのような防御は、症状の数、症状の重篤度の低下、又は当該病原体の感染に随伴する症状の1つ以上の欠落、ウイルス血症の発症の遅延、ウイルス持続性の低下、全体的ウイルス負荷の減少、及び/又はウイルス排出の減少によって示されるであろう。

本明細書で用いられるように、“医薬的に又は獣医的に許容できる担体”には、任意の及び全ての溶媒、分散媒体、コーティング、アジュバント、安定化剤、希釈剤、保存料、抗菌及び抗カビ剤、等張剤、吸収遅延剤などが含まれる。いくつかの好ましい実施態様及び特に凍結乾燥免疫原性組成物を含む実施態様では、本発明で使用する安定化剤には凍結乾燥又はフリーズドライのための安定化剤が含まれる。

いくつかの実施態様では、本発明の免疫原性組成物はアジュバントを含む。本明細書で用いられる“アジュバント”には、水酸化アルミニウム及びリン酸アルミニウム、サポニン、例えばQuil A、QS-21 (Cambridge Biotech Inc., Cambridge MA)、GPI-0100 (Galenica Pharmaceuticals, Inc., Birmingham, AL)、水中油エマルジョン、油中水エマルジョン、水中油中水エマルジョンが含まれうる。

【0032】

エマルジョンは特に以下をベースにすることができる：軽質流動パラフィン油（欧州局法タイプ）；イソプレノイド油、例えばスクワラン又はスクワレン；アルケン（特にイソブテン又はデセン）のオリゴマー化から生じる油；酸又はアルコールのエステルで、前記は直鎖アルキル基、より具体的には植物油、オレイン酸エチル、プロピレングリコールジ（カプリレート/カプレート）、グリセリルトリ-（カプリレート/カプレート）又はプロピレングリコールジオレートを含有；分枝脂肪酸又はアルコールのエステル、特にイソステアリン酸エステル。油は乳化剤と組み合わせて用いられる。乳化剤は、好ましくは非イオン性界面活性剤、特にソルビタンのエステル、マンニドのエステル（例えばオレイン酸アンヒドロマンニトール）、グリコールのエステル、ポリグリセロールのエステル、プロピレングリコールのエステル、及びオレイン酸、イソステアリン酸、リシノール酸、又はヒドロキシステアリン酸のエステル（前記は場合によってエトキシ化される）、並びにポリオキシプロピレン-ポリオキシエチレンコポリマーブロック、特にプルロニック製品、特にL121である。以下を参照されたい：Hunter et al. The Theory and Practical Application of Adjuvants (Ed. Stewart-Tull, D. E. S.) ; John Wiley and Sons, NY, pp51-94, 1995; 及びTodd et al. Vaccine 15:564-570, 1997。例示的アジュバントは、以下の論文（“Vaccine Design, The Subunit and Adjuvant Approach” (Ed. M. Powell and M. Newman) Plenum Press, 1995)の147ページに記載されているSPTエマルジョン及び同書の183ページに記載されているエマルジョンMF59である。

適切な水中油エマルジョンの例は、EMULSIGEN(商標)系アジュバント、例えばEMULSIGEN(商標)（水中油エマルジョンo/w）、EMULSIGEN-D(商標)（ジメチルジオクタデシルアンモニウムブロミド（DDA）を含む水中油（o/w））、EMULSIGEN-P(商標)（特許の免疫刺激剤を含む水中油（o/w））、EMULSIGEN-75(商標)（架橋ポリマーを含む水中油（o/w））を構成

する二重アジュバント)、及びEMULSIGEN(商標)-BCL(動物起源の成分を含まない水中油エマルジョン)(MVP Technologies, Inc. Omaha, Nebr., USA)である。不活化PEDV又は組換えPEDVタンパク質を含む医薬/ワクチン組成物は、水中油エマルジョン、好ましくはそのようなEMULSIGEN(商標)系アジュバント、より好ましくはEMULSIGEN(商標)(水中油エマルジョン(o/w))及びEMULSIGEN(商標)-BCL(動物起源の成分を含まない水中油エマルジョン)により効果的に免疫賦活が補助された。

【0033】

獣医ワクチンで使用される適切な吸着性水酸化アルミニウムゲルの例には、REHYDRAGEL(商標)、REHYDRAGEL-CG(商標)、REHYDRAGEL-LV、REHYDRAGEL-HPA、REHYDRAPHOS(General Chemical, Berkeley Heights, New Jersey, USA)が含まれる。

アジュバントのさらに別の例は、アクリル酸又はメタクリル酸のポリマー並びに無水マレイン酸及びアルケニル誘導体のコポリマーから選択される化合物である。有利なアジュバント化合物はアクリル酸又はメタクリル酸のポリマーであり、前記は特に糖類又は多価アルコールのポリアルケニルエーテルで架橋される。これらの化合物はカルボマーという名称で知られる(Pharmeuropa Vol. 8, No. 2, June 1996)。当業者はまたU.S. Pat. No. 2,909,462を参照することができ、前記はそのようなアクリルポリマーについて記載している。前記アクリルポリマーは、少なくとも3つの(好ましくは8つを超えない)ヒドロキシシル基を有するポリヒドロキシル化合物で架橋され、当該少なくとも3つのヒドロキシルの水素原子は、少なくとも2つの炭素原子を有する不飽和脂肪族ラジカルによって置き換えられる。好ましいラジカルは、2つから4つの炭素原子を含むもので、例えばビニル、アリル及び他のエチレン性不飽和基である。当該不飽和ラジカルはそれ自体他の置換基(例えばメチル)を含むことができる。CARBOPOL.RTM.(ポリアクリル酸としても知られている)(BF Goodrich, Ohio, USA)の名称で販売されている製品が特に適切である。それらは、アリルシュクロース又はアリルペンタエリトリールで架橋される。それらの中で特に以下を挙げることができる: CARBOPOL.RTM. 974P(ポリアクリル酸としても知られている)、CARBOPOL.RTM. 934P(ポリアクリル酸としても知られている)、及びCARBOPOL.RTM. 971P(ポリアクリル酸としても知られている)。CARBOPOL.RTM. 971P(ポリアクリル酸としても知られている)の使用が最も好ましい。無水マレイン酸とアルケニル誘導体のコポリマーの中で、無水マレイン酸とエチレンとのコポリマーであるEMAコポリマー(Monsanto)。これらのポリマーの水への溶解は酸性溶液を生じ、前記は、アジュバント溶液を提供するために好ましくは生理学的pHに中和されるであろう(前記アジュバント溶液に免疫原性、免疫学的又はワクチン組成物それ自体が取り込まれるであろう)。

【0034】

さらに別の適切なアジュバントには、とりわけRIBIアジュバント系(Ribi Inc.)、ブロックコポリマー(CytRx, Atlanta Ga.)、SAF-M(Chiron, Emeryville Calif.)、モノホスホリル脂質A、アブリジン脂質-アミンアジュバント、大腸菌(E. coli(組換え又は非組み換え))由来易熱性エンテロトキシン、コレラ毒素、又はムラミルジペプチドが含まれるが、ただしこれらに限定されない。

アジュバントは、1用量当たり約100 µgから約10mgの量で、好ましくは1用量当たり約10 µgから約10mgの量で、より好ましくは1用量当たり約500 µgから約5mgの量で、さらに好ましくは約750 µgから約2.5mg、もっとも好ましくは約1mgの量で添加できると予想される。また別には、アジュバントは、最終製品の体積で約0.01から50%の濃度、好ましくは約2%から30%の濃度、より好ましくは約5%から25%の濃度、さらに好ましくは約7%から22%の濃度、もっとも好ましくは10%から20%の濃度でありうる。

“希釈剤”には、水、食塩水、デキストロース、エタノール、グリセロールなどが含まれうる。等張剤には、とりわけ塩化ナトリウム、デキストロース、マンニトール、ソルビトール、及びラクトースが含まれうる。安定化剤には、とりわけアルブミン及びエチレンジアミン四酢酸のアルカリ塩が含まれる。

“単離され”とは、その天然の状態から“人間の手によって”改変されること(すなわちそれが天然に存在するとしたら、それがその本来の環境から変化させられるか、除去さ

10

20

30

40

50

れるか又はその両方であること)を意味する。例えば、生きている生物に天然に存在するポリヌクレオチド又はポリペプチドは“単離され”ていないが、その天然の状態で一緒に存在する物質から分離された同じポリヌクレオチド又はポリペプチドは、当該用語が本明細書で用いられるように“単離され”ている。

“安全性”とは、ワクチン接種後にワクチンを接種された動物で有害な結果が存在しないことを指し、前記結果には、ウイルス系ワクチンの病毒性への復帰の可能性、臨床的に顕著な副作用、例えば持続的な全身性症状又はワクチン投与部位の許容不能な炎症が含まれる(ただしこれらに限定されない)。

【0035】

本明細書で用いられる“ワクチン接種”若しくは“ワクチンを接種する”という用語又はその変型は、動物に投与したとき、直接又は間接的に動物でPEDVに対して免疫応答を誘引するか又は誘引することができる、本発明の免疫原性組成物の投与を含むプロセス(ただし前記に限定されない)を指す。

本発明の関係で“死亡率”は、PEDV感染によって引き起こされる死亡を指し、さらに、感染が非常に重篤であるので病気を防ぎその命を人道的に終わらせるために動物を安楽死させる状況も含まれる。

本明細書では、“有効用量”は、抗原が投与される動物で臨床症状の軽減をもたらす免疫応答を誘引又は誘引することができる抗原の量(ただし前記に限定されない)を意味する。

本明細書で用いられるように、組成物の関係で“有効な量”は、動物における感染の発生率を低下させるか又は感染の重篤度若しくは疾患の発生率を軽減する免疫応答を誘発することができる免疫原性組成物の量を意味する。特に、有効な量は1用量当たりのコロニー形成単位(CFU)を指す。また別に、治療の関係では、“有効な量”は、疾患若しくは異常又はその1つ以上の症状の重篤度若しくは持続時間を軽減し、疾患若しくは異常の進行を防ぎ、疾患若しくは異常の退行を引き起こし、疾患若しくは異常に随伴する1つ以上の症状の再発、発達、開始又は進行を防ぎ、又は別の治療若しくは治療薬剤による予防又は治療を強化又は改善するために十分な治療量を指す。

【0036】

当業界で公知のように“配列同一性は”、2つ以上のポリペプチド配列又は2つ以上のポリヌクレオチド配列(すなわち参照配列及び参照配列と比較されるべく与えられた配列)間の関係を指す。配列同一性は、当該配列を最適にアラインメントして最高度の配列類似性(そのような配列鎖間のマッチによって決定される)を得た後で、当該与えられた配列を参照配列と比較することによって決定される。そのようなアラインメントでは、配列同一性は一つ一つ位置が確認される。例えば、個々の位置でヌクレオチド又はアミノ酸残基が同一ならば、当該位置で当該配列は“同一”である。そのような位置同一の総数を参照配列のヌクレオチド又は残基の総数で割って、%配列同一性が与えられる。配列同一性は公知の方法によって容易に計算できる。前記方法には、以下に記載された方法が含まれるが、ただしこれらに限定されない: Computational Molecular Biology, Lesk, A. N., ed., Oxford University Press, New York, 1988; Biocomputing: Informatics and Genome Projects, Smith, D.W., ed., Academic Press, New York, 1993; Computer Analysis of Sequence Data, Part I, Griffin, A.M., and Griffin, H. G., eds., Humana Press, New Jersey, 1994; Sequence Analysis in Molecular Biology, von Heinge, G., Academic Press, 1987; Sequence Analysis Primer, Gribskov, M. and Devereux, J., eds., M. Stockton Press, New York, 1991; 及びCarillo, H., and Lipman, D., SIAM J. Applied Math., 48: 1073, 1988(前記の教示は参照により本明細書に含まれる)。配列同一性を決定する好ましい方法が設計され、被験配列間の最大のマッチが提供される。配列同一性を決定する方法は、与えられた配列間の配列同一性を決定する公開コンピュータプログラムで体系化されている。そのようなプログラムの例には以下が含まれる(ただしこれらに限定されない): GCGプログラムパッケージ(Devereux, J., et al. Nucleic Acids Research, 12(1):387, 1984); BLASTP、BLASTN及びFASTA(Altschul, S. F. et al. J.

10

20

30

40

50

Molec. Biol., 215:403-410, 1990)。BLASTプログラムはNCBI及び他のソースから公開されている (BLAST Manual, Altschul, S. et al. NCBI NLM NIH Bethesda, MD 20894; Altschul, S. F. et al. J. Molec. Biol., 215:403-410, 1990) (前記の教示は参照により本明細書に含まれる)。これらのプログラムは、与えられた配列と参照配列との間の高レベル配列同一性を得るために、デフォルトギャップ重を用いて最適な配列アラインメントを実施する。少なくとも例えば85%、好ましくは90%、より好ましくは95%の“配列同一性”を有するヌクレオチド配列のポリヌクレオチドによって例示すれば、与えられたポリヌクレオチドのヌクレオチド配列は、前記が参照ヌクレオチド配列の100ヌクレオチド毎に15まで、好ましくは10まで、より好ましくは5までの点変異を含みうるという点を除いて当該参照配列と同一であることが意図される。換言すれば、参照ヌクレオチド配列に対して少なくとも85%、好ましくは90%、より好ましくは95%同一性を有するヌクレオチド配列のポリヌクレオチドでは、当該参照配列のヌクレオチドの15%まで、好ましくは10%まで、より好ましくは5%までが欠失又は別のヌクレオチドで置換されうるか、又は、当該参照配列の全ヌクレオチドの15%まで、好ましくは10%まで、より好ましくは5%までの数のヌクレオチドが当該参照配列に挿入されうる。参照配列のこれらの変異は、当該参照ヌクレオチド配列の5'又は3'末端の位置又は当該末端の位置の間の任意の場所で生じうる (前記任意の位置は当該参照配列内のヌクレオチド間で個々に又は当該参照配列内で1つ以上の連続する群として散在する)。同様に、参照アミノ酸配列に対して少なくとも例えば85%、好ましくは90%、より好ましくは95%の配列同一性を有するアミノ酸配列のポリペプチドでは、当該与えられたポリペプチドのアミノ酸配列は、前記が参照アミノ酸配列の100アミノ酸毎に15まで、好ましくは10まで、より好ましくは5までのアミノ酸改変を含みうるという点を除いて当該参照配列と同一であることが意図される。換言すれば、参照ヌクレオチド配列と少なくとも85%、好ましくは90%、より好ましくは95%配列同一性を有するあるポリペプチド配列を得るために、当該参照配列のアミノ酸残基の15%まで、好ましくは10%まで、より好ましくは5%までが欠失又は別のアミノ酸で置換されうるか、又は、当該参照配列のアミノ酸残基の総数の15%まで、好ましくは10%まで、より好ましくは5%までの数のアミノ酸が当該参照配列に挿入されうる。参照配列のこれらの改変は、当該参照アミノ酸配列のアミノ又はカルボキシ末端で又は当該末端位置の間の任意の場所で生じうる (前記任意の位置は当該参照配列の残基間で個々に又は当該参照配列内で1つ以上の連続する群として散在する)。好ましくは、同一でない残基の位置は保存的アミノ酸置換によって相違する。しかしながら、保存的置換は、配列相同性を決定するときはマッチとして含まれない。

【0037】

“保存的置換”は、全体的な機能性が顕著には変化しないようなアミノ酸残基の置換又は、同様な特徴若しくは特性 (サイズ、疎水性など) を有する別のアミノ酸残基による置換を指す。

本明細書で用いられる“配列相同性”は、保存的置換を割り引いて2つの配列の関連性を決定する方法を指す。配列相同性を決定するために、2つ以上の配列が最適にアラインメントされ、必要な場合にはギャップが導入される。換言すれば、参照配列に対して95%配列相同性を有するポリペプチドを得るために、参照配列のアミノ酸残基の85%、好ましくは90%、より好ましくは95%がマッチするか又は別のアミノ酸による保存的置換を含まねばならないか、或いは参照配列の全アミノ酸残基の15%まで、好ましくは10%まで、より好ましくは5%までの数のアミノ酸が参照配列に挿入されうる (保存的置換を含まない)。好ましくは、当該相同配列は、少なくとも一続きが50、より好ましくは100、さらに好ましくは250、さらに好ましくは500のアミノ酸を含む。

【0038】

“配列同一性”又は“パーセント同一性”という用語は本明細書では互換的に用いられる。本発明の目的のためには、2つのアミノ酸配列又は2つの核酸配列のパーセント同一性を決定するために、配列は最適な比較のためにアラインメントされることが定められている (例えば、第二のアミノ酸又は核酸配列との最適なアラインメントのために、ギャップ

を第一のアミノ酸又は核酸配列に導入できる)。続いて、対応するアミノ酸又はヌクレオチドの位置のアミノ酸又はヌクレオチド残基が比較される。第一の配列の位置が、対応する位置のアミノ酸又はヌクレオチド残基と同じものによって占められているとき、これらの分子は当該位置で同一である。2つの配列間のパーセント同一性は、これら配列によって共有される同一の位置の数の関数である(すなわち、%同一性=同一の位置の数/位置(すなわちオーバーラップする位置)の総数×100)。好ましくは2つの配列は同じ長さである。配列同一性がタンパク質の関係で用いられるとき、同一ではない残基の位置はしばしば保存的アミノ酸置換によって相違することは知られている(保存的置換では、同様な化学的特性(例えば電荷又は疎水性)を有するアミノ酸残基で置換され、したがって当該分子の機能的特性を変化させない)。配列が保存的置換で相違するとき、パーセント配列同一性は上方調整され、置換の保存的性質のために改変できる。そのような保存的置換によって相違する配列は、“配列類似性”又は“類似性”を有すると称される。

10

配列比較は、比較される2つの配列の全長にわたって又は2つの配列のフラグメントにわたって実施されう。典型的には、比較は、比較される2つの配列の完全長にわたって実施されるであろう。しかしながら、配列同一性は、例えば20、50、100又は100を超える連続アミノ酸残基の領域にわたって実施されう。

【0039】

2つの配列間の相同性を決定するためにいくつかの異なるコンピュータプログラムが利用可能であることを当業者は認識しているであろう。例えば、2つの配列間の配列比較及びパーセント同一性の決定は、数学的アルゴリズムを用いて達成できる。好ましい実施態様では、2つのアミノ酸又は核酸配列間のパーセント同一性は、NeedlemanとWunsch(J. Mol. Biol. (48): 444-453, 1970)のアルゴリズムを用いて決定され(前記アルゴリズムはAccelrys GCGソフトウェアパッケージ(以下で入手できる: <http://www.accelrys.com/products/gcg/>)のGAPプログラムに取り込まれている)、前記アルゴリズムでは、Blosom 62マトリックス又はPAM250マトリックスのどちらか並びに16、14、12、10、8、6又は4のギャップ重及び1、2、3、4、5又は6の長さ重が用いられる。これら種々のパラメーターのいずれもわずかに異なる結果をもたらすであろうが、2つの配列の全体的なパーセンテージ同一性は、異なるアルゴリズムを用いたときに有意には変化しないことは当業者には理解されよう。

20

本発明のタンパク質配列又は核酸配列をさらにまた“クエリー配列”として用い、公開データベースに対して検索を実施して、例えば他のファミリーメンバー又は関連配列を同定することができる。そのような検索は、BLASTN及びBLATPプログラム(バージョン2.0)(Altschul, et al. (1990) J. Mol. Biol. 215:403-10)を用いて実施できる。BLASTタンパク質検索をBLASTPプログラム、スコア=50、ワード長=3を用いて実施して、本発明のタンパク質分子と相同なアミノ酸配列を得ることができる。比較の目的のためにギャップ付加アラインメントを得るために、ギャップ付加BLASTをAltschulら(Nucleic Acids Res. 25(17): 3389-3402, 1997)が記載したように利用することができる。BLAST及びギャップ付加BLASTプログラムを利用するとき、対応するプログラム(例えばBLASTP及びBLASTN)のデフォルトパラメーターを用いることができる。国立生物工学情報センターのホームページ(<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/>)を参照されたい。

30

40

本発明の特許請求の範囲のPEDVはまた、PEDV単離株1251-125-10(“125-10”)及びその部分フラグメントの変種を包含するであろう。そのような変種は本質的にはオクラホマ(Oklahoma)株(配列番号:1及び15)の特徴と同じ免疫学的特性を有する。“本質的に同じ免疫学的特性を有する”という用語は、前記変種が、下記に記載するPEDVによって引き起こされる臨床徴候の治療において又は下記に記載する有効性パラメーターの改善において本質的に有効であることを包含するが、このことに限定されない。

【0040】

配列番号:1、2、3、6、7、8、9、14及び15の配列に関して“変種”(例えばポリペプチド又は核酸配列)という用語は、実質的に類似する配列を意味することが意図される。オープンリーディングフレームを含むヌクレオチド配列については、変種は、遺伝子暗号

50

の縮退のために天然のタンパク質と同一のアミノ酸配列をコードする配列を含む。変種ヌクレオチド配列はまた合成によって誘導されるヌクレオチド配列（例えば位置指定変異導入を用いて生成されるもの）を含み、さらにオープンリーディングフレームについては、変種ヌクレオチド配列は、天然のタンパク質の他に、コドンの最適化の目的で天然のタンパク質に対してアミノ酸置換を有するポリペプチドをコードするものをコードする。一般的には、本発明のヌクレオチド配列変種は、記載のアラインメントプログラムの1つを標準パラメーターを用いて実施したとき参照配列と比較して、少なくとも80%、81%、82%、83%、84%、85%、86%、87%、88%又は89%、より好ましくは少なくとも90%、91%、92%、93%又は94%、もっとも好ましくは少なくとも95%、96%、96.1%、96.2%、96.3%、96.4%、96.5%、96.6%、96.7%、96.8%、96.9%、97%、97.1%、97.2%、97.3%、97.4%、97.5%、97.6%、97.7%、97.8%、97.9%、98%、98.1%、98.2%、98.3%、98.4%、98.5%、98.6%、98.7%、98.8%、98.9%、99%、99.1%、99.2%、99.3%、99.4%、99.5%、99.6%、99.7%、99.8%、99.99%の配列同一性を有するであろう。

【0041】

当業界で知られているように“遺伝子グループ”という用語は、属の中の関連するウイルスを指し、前記はさらに遺伝子クラスターに下位分類できる。PEDVの同定された遺伝子グループには、G1（サブグループG1a、G1b、R（弱毒/馴化）を含む）及びG2（サブグループG2a及びG2bを含む）が含まれる。G2a遺伝子グループのメンバーには、中国株AH2012（GenBankアクセッション番号：KC210145）及び北アメリカ株（いくつかの固有のヌクレオチド変化を共有する）が含まれる。AH2012とMN及びIA2株は99.6%、IA1株は99.5%のヌクレオチド同一性をそれぞれ有していた。研究者らは、AH2012様ウイルスはおそらく中国東部領域に伝播され、続いて米国に輸送され、北アメリカ株の最も近い先祖である蓋然性が大であると考えている。遺伝子グループ2aのメンバーは、遺伝子グループ1aのプロトタイプPEDV CV777株と約96.9%の類似性しか共有しない（Bridgen, et al. 1993; Huang et al. 2013; GenBank: AF353511.1）。したがって、歴史的なCV777由来G1a株又はDR13由来G1b株をベースにする弱毒PEDVワクチンは、新規に出現した中国及び北アメリカG2a PEDV株と抗原的に関連性が低いかもしれない。

近縁の北アメリカ単離株US/Colorado/2013（GenBankアクセッション番号：KF272920.1）もまた報告されている（Marthaler et al. 2013）。上記の北アメリカ単離株と同様に、CO/13の完全なPEDVゲノムは、GenBankで入手できる他の完全なPEDVゲノムと96.5から99.5%のヌクレオチド同一性を有し、中国株AH2012（GenBankアクセッション番号：KC210145）と最も高いヌクレオチド同一性（99.5%）を有する。中国株AH2012は2a遺伝子グループのメンバーである。北アメリカ単離株CO/13の完全なゲノムとPEDV参照株CV777の完全なゲノムとの比較は、CO/13は1ヌクレオチドの挿入（48位）及び5' UTRに5ヌクレオチドの欠失（73位及び83から86位）を含み、一方、スパイク遺伝子は16ヌクレオチドの挿入（20804、20810から20820、20843、及び21053から21055位）及び7ヌクレオチドの欠失（20853及び21118から21124位）を含むことを示している。

【0042】

“北アメリカ起源のPEDV”という用語は以下を意味する：配列番号:1及び/又は配列番号:15を含むPEDV単離株、及び/又は配列番号:1と少なくとも99%の配列同一性を有する任意のPEDV単離株、及び/又は配列番号:1のRNA等価物と少なくとも99%同一である任意のPEDV単離株、及び/又はスパイクタンパク質が配列番号:13によってコードされるPEDV単離株、及び/又はスパイクタンパク質が配列番号:13と少なくとも98%の配列同一性を有する任意のPEDV単離株、及び/又は発現されるスパイクタンパク質が配列番号:14と少なくとも90%の相同性を有する任意のPEDV単離株。

当業界で知られているように“クレード”という用語は、1つの祖先及び当該祖先の全ての子孫から成るグループ（系統樹における単一の“枝”）を指す。一例として、当該祖先は1個体、1集団又は1つの種である。遺伝子グループは複数のクレードを含み、例えばAH2012は北アメリカ単離株とは異なるクレードである。

さらに別の実施態様にしたがえば、本発明はまた、本明細書に記載の核酸分子のいずれ

かを含むベクターに関する。換言すれば、本発明は、任意のそのようなスパイクM、E、N PEDVタンパク質、又はその部分のコード配列を含むベクターに関する。好ましくは、前記ベクターは発現ベクターであり、任意のそのようなスパイクM、E、及び/又はN PEDVタンパク質又はその部分の発現を可能にする。本発明のベクターは、in vitro又はin vivoにおける細菌細胞、酵母細胞又は動物細胞の感染又はトランスフェクションに適切なものである。

【0043】

ベクター及び発現のためのベクターの製造及び/又は使用方法は以下に記載の方法であるか又は類似の方法でありうる：米国特許4,603,112号、4,769,330号、5,174,993号、5,505,941号、5,338,683号、5,494,80号、4,722,848号、5,942,235号、5,364,773号、5,762,938号、5,770,212号、5,942,235号、382,425号、PCT公開広報WO 94/16716、WO 96/39491、WO 95/30018；Paoletti, “Applications of pox virus vectors to vaccination: An update” PNAS USA 93: 11349-11353, October 1996；Moss, “Genetically engineered poxviruses for recombinant gene expression, vaccination, and safety” PNAS USA 93: 11341-11348, October 1996；Smith et al., U.S. Pat. No. 4,745,051（組換えバキュロウイルス）；Richardson, C. D.（編集）, Methods in Molecular Biology 39, “Baculovirus Expression Protocols”（1995 Humana Press Inc.）；Smith et al., “Production of Human Beta Interferon in Insect Cells Infected with a Baculovirus Expression Vector” Molecular and Cellular Biology, December, 1983, Vol. 3, No. 12, p. 2156-2165；Pennock et al., “Strong and Regulated Expression of Escherichia coli B-Galactosidase in Infect Cells with a Baculovirus vector” Molecular and Cellular Biology March 1984, Vol.4, No.3, p.406；EPA 0 370 573；米国特許出願No.920,197（1986年10月16日出願）；欧州特許出願265785；米国特許4,769,331（組換えヘルペス）；Roizman, “The function of herpes simplex virus genes: A primer for genetic engineering of novel vector” PNAS USA 93:11307-11312, October 1996；Andreansky et al., “The application of genetically engineered herpes simplex viruses to the treatment of experimental brain tumors” PNAS USA 93: 11313-11318, October 1996；Robertson et al., “Epstein-Barr virus vectors for gene delivery to B lymphocytes” PNAS USA 93: 11334-11340, October 1996；Frolov et al., “Alphavirus-based expression vectors: Strategies and applications” PNAS USA 93: 11371-11377, October 1996；Kitson et al., J. Virol. 65, 3068-3075, 1991；米国特許5,591,439号、5,552,143号；WO 98/00166；米国特許出願（allowed）08/675,556及び08/675,566（ともに1996年7月3日出願（組換えアデノウイルス））；Grunhaus et al., 1992, “Adenovirus as cloning vectors” ウイルス学セミナー（Vol.3）p.237-52, 1993；Ballay et al. EMBO Journal, vol. 4, p.3861-65, Graham, Tibtech 8, 85-87, April, 1990；Prevec et al., J. Gen Virol. 70, 42434；PCT WO91/11525；Felgner et al., 1994, J. Biol. Chem. 269, 2550-2561, Science, 259: 1745-49, 1993；及びMcClements et al., “Immunization with DNA vaccines encoding glycoprotein D or glycoprotein B, alone or in combination, induces protective immunity in animal models of herpes simplex virus-2 disease” PNAS USA 93: 11414-11420, October 1996；及び米国特許5,591,639号、5,589,466号及び5,580,859号の他に、WO 90/11092、WO93/19183、WO94/21797、WO95/11307、WO95/20660；Tang et al., Nature, and Furth et al., Analytical Biochemistry, relating to DNA expression vectors。特に以下もまた参照されたい：WO 98/33510；Ju et al., Diabetologia, 41: 736-739, 1998（レンチウイルス発現系）；Sanford et al., 米国特許4,945,050号；Fischbach et al.（Intracel）；WO 90/01543；Robinson et al., 免疫学セミナー vol.9, pp.271-283, 1997（DNAベクター系）；Szoka et al., 米国特許4,394,448号（生細胞へのDNA挿入方法）；McCormick et al., 米国特許5,677,178号（細胞変性ウイルスの使用）；及び米国特許5,928,913号（遺伝子デリバリー用ベクター）並びに本明細書に引用した他の文書。

好ましいウイルスベクターにはバキュロウイルス、例えばBaculoGold（BD Biosciences

10

20

30

40

50

Pharmingen, San Diego, Calif.) が含まれるが、ただし生産細胞が昆虫細胞であることを条件とする。バキュロウイルス発現系が好ましいが、他の発現系も本発明の目的（すなわち細胞培養上清へのHGの発現）のために機能することは当業者には理解されよう。そのような他の発現系は、培地へのH5発現を引き起こすためにシグナル配列の使用を必要とする

【0044】

有効用量：

本明細書に記載の化合物は、PEDV関連疾患を予防するために治療的に有効な用量で対象に投与できる。投薬量は、例えば宿主のサイズ、体重及び齢のような要件と同様にワクチンを投与される宿主に左右されるであろう。

処方物に用いられるべき本発明の免疫原性組成物の正確な量は、投与経路及び対象の性質（例えば齢、サイズ、疾患の病期/レベル）に左右され、標準的な臨床技術にしたがって施術者の判断及び各対象の環境に応じて決定されるべきである。有効な免疫量は、対象でPEDV感染疾患を治療又は予防するために十分な量である。

組成物の免疫原性は、当該組成物による免疫後に試験対象の免疫応答を、当業界で公知の任意の免疫アッセイを使用してモニターすることによって決定できる。液性（抗体）応答及び/又は細胞媒介免疫の発生は免疫応答の指標として利用できる。試験対象動物には例えばブタ、マウス、ハムスター、イヌ、ネコ、ウサギ、乳牛、ウマ、ヒツジ、家禽（例えばニワトリ、アヒル、ガチョウ及びシチメンチョウ）及び人間が含まれる。

試験対象動物の免疫応答は、感染症因子のレベル（例えばウイルスレベル）をアッセイするために（例えば対象動物のサンプルを培養することによって）、多様なアプローチ又は当業界で公知の他の技術によって分析できる。前記多様なアプローチは例えば、得られた免疫血清の当該免疫原性複合物に対する反応性（公知技術（例えば酵素結合免疫吸着アッセイ（ELISA）、イムノブロット、免疫沈澱、ウイルス中和など）によってアッセイ）；又は当該病原体による感染から免疫宿主の防御、及び/又は免疫宿主における当該病原体による感染に起因する症状の緩和（当業界で公知の任意の方法によって決定）である。感染症因子のレベルはまた、当該免疫グロブリンが対抗する抗原のレベルを測定することによって決定できる。感染症因子のレベルの低下又は感染症の症状の緩和は当該組成物が有効であることを示す。

【0045】

本発明の治療薬は、動物でのin vivo使用の前に、所望の治療活性又は予防活性のためにin vitroで試験することができる。例えば、個々の治療薬の投与が適正であるか否かを決定するために用いることができるin vitroアッセイには細胞培養アッセイが含まれる。前記アッセイでは、細胞株由来の適切な細胞、又は特定の疾患又は異常を有する対象から培養された細胞が治療薬に暴露されるか、或いは治療薬を投与され、当該治療薬の当該細胞に対する効果が観察される。

また別には、当該治療薬は、前記を細胞（対象から培養されるか又は培養細胞株に由来する）（前記細胞は当該感染症因子による感染に感受性であるが当該感染症因子に感染しない）に接触させ、当該感染症因子に暴露し、続いて治療薬と接触させた細胞の感染率が治療薬と接触しなかった細胞の感染率より低いかなどを決定することによってアッセイできる。細胞の感染症因子による感染は当業界で公知の任意の方法によってアッセイできる。

加えて、当該抗体が対抗する分子のレベルを動物モデル又はヒト対象で治療前、治療中又は治療後に適切な時間間隔で測定することによって、当該治療薬を評価することができる。当該分子の量の一切の変化又は無変化を認定して、対象における治療の効果と相関させることができる。当該分子のレベルは当業界で公知の任意の方法によって決定できる。

本発明の方法及び組成物を用いて動物をPEDVに対してワクチン免疫した後、当業界で公知の任意の結合アッセイを用いて、生じた抗体と当該特定の分子との間の結合を評価することができる。これらのアッセイはまた、特定の抗原に対するより高い親和性又は特異性を示す抗体を選別するために実施することができる。

【 0 0 4 6 】

対象への投与：

好ましい投与ルートには鼻内、経口、皮内及び筋肉内が含まれるが、ただしこれらに限定されない。本発明の組成物はまた1用量、2用量又は3用量以上で、さらに他の投与ルートでも投与できることは当業者には理解されよう。例えば、そのような他のルートには皮下、皮内、静脈内、脈管内、動脈内、腹腔内、髄腔内、気道内、皮内、心臓内、小葉内、脊髄内、肺内、及び腔内が含まれる。所望される治療持続期間及び有効性に応じて、本発明の組成物は、1回又は数回、或いは間歇的に、例えば数日間毎日、数週間、数カ月さら

に種々の投薬量で投薬できる。

以下の実施例は、本発明の好ましい実施態様を示すために含まれる。以下の実施例で開示される技術は、本発明によって発見され本発明の実施で良好に機能する技術を表し、したがって本発明の実施のために好ましい態様を構成すると考えることができることは当業者には理解されるはずである。しかしながら、本開示を踏まえて、多くの変更が開示の具体的実施態様において実施可能であり、なお本発明の趣旨及び範囲から外れることなく同様な類似の結果を得ることができることは当業者には理解されよう。

【実施例 1】

【 0 0 4 7 】

不活化PEDV株の単離及び製造

ブタ流行性下痢ウイルスワクチン、死滅ウイルスを製造するために、PEDV（単離株）のマスターシード培養をまず初めに作製した。このマスターシードから、PEDVの培養を増殖させ、続いて不活化した。続いてこの不活化ウイルス培養をアジュバントと混合して、ブタ流行性下痢ウイルスワクチンを製造した。以下の方法が、ブタ流行性下痢ウイルスワクチンを製造するために用いられた。

激しい下痢を示す動物又は動物の組織を2013年に入手した。これらの動物から粘膜剥離物のホモジネートを作製し、0.2ミクロンの注射器フィルターでろ過し、ろ液を用いてアフリカミドリザル腎細胞（VERO）に接種した。ウイルスをPEDV維持培地の存在下で増殖させた（前記維持培地は、改変MEM、ブタトリプシン、トリプトースホスフェートブロス、酵母抽出物及びHEPES緩衝液を含む）。ウイルスの増殖は、特徴的な合胞体形成及び単層細胞の融合についてチェックすることによって判定及び可視化した。CPE陽性材料をイルミナ（Illumina）ベースのMiSeq技術を用いて配列決定に付した。

PEDVマスターシードウイルス培養物（“PEDV MSV”）を作製するために、ブタ流行性下痢ウイルス株（単離株）（PEDV単離株）をBI VERO細胞で単離し、BI VERO細胞で合計19代継代し、続いて2013EU VERO細胞で30代まで増殖させた。継代30代目のウイルスをマスターシードウイルス（PEDV KV-1251-125-10-OKと称する）として取りおいた。

【 0 0 4 8 】

マスターシードウイルスから、PEDV（KV-1251-125-10-OK、本明細書では今後“125-10”と称する）の培養物を、PEDV維持培地中で2013EU VERO細胞をPEDV KV-1251-125-10-OK MSVに感染させることによって作製した。前記維持培地は、改変最小必須培地、ブタトリプシン（10 µg/mL）、トリプトースホスフェートブロス（0.3%）、酵母抽出物（0.02%）及び1M HEPES緩衝液（2.5%）を含む。典型的には、2013EU VERO細胞を 10^4 TCID₅₀/850cm² ローターボトルの最小用量のPEDV(125-10)MSVで感染させた。そのような培養物を無菌的な使い捨てローラーボトル中又はマイクロキャリアビーズ上で増殖させることができる。培養物を細胞変性効果（“CPE”）が観察されるまで36 ± 2 で24から48時間インキュベートした。典型的には、特徴的な合胞体は感染から12時間以内に認めることができ、合胞体は拡大し、単層細胞は24 - 48時間で融合し、続いて細胞は剥離する。インキュベーション中に、培養物をPEDV誘発CPEについてモニターして、純粋なPEDV株を担保する。非定型的CPEが観察されるか、又は肉眼的若しくは顕微鏡的汚染の証拠が存在する場合には、培養物を廃棄する。純粋なウイルス培養物を無菌的に滅菌カーボイに採集する。ウイルスを凍結融解して、細胞結合ピリオンを遊離させ、遠心分離によって又は0.45ミクロンフィルター続いて0.2ミクロンフィルターからろ過し清澄化した。不活化前に、バルクウイルス

採集液を試験し、マイコプラズマが存在しないことを確認した。直ちに不活化しない採集液は-70℃以下で保存した。

採集液の体積を決定し、液の温度を 36 ± 2 ℃にした。0.4Mの2-プロモエチレンアミン(BEA)溶液を0.3NのNaOHのストック溶液と混合してバイナリーエチレンイミン(BEI)を生成し、前記を続いて採集液に添加して5mMのBEIの最終濃度を提供した。この液を最低24時間持続的に攪拌した。1.0Mのチオ硫酸ナトリウム溶液を5mMの最終濃度となるように添加して、一切の残留BEIを中和した。この不活化液を長期保存のために -70 ± 3 ℃で、又は短期間のために 4 ± 3 ℃で保存することができる。

BEIによる処理の後、PEDVに典型的なCPEを誘発する能力について培養物を試験して、ウイルスの不活化を担保した。この作業は、BEI処理ウイルス液をVERO細胞で継代し、何らかのウイルス感染についてVERO細胞をチェックすることによって実施した。典型的には、BEI処理培養液は不活化アッセイが完了するまで-70℃以下で保存した。

不活化ウイルスは、当該不活化PEDV培養をアジュバントEMULSIGEN(商標)-BCL(20%含有率)と十分にブレンドしてバルクシリーズを形成することによって処方した。このバルクシリーズはバイアルに移すまで2-8℃で維持し、バイアルは1用量又は10用量(2.0mL/用量)を含む。

【実施例2】

【0049】

PEDV単離株125-125-10“125-10”のゲノム配列分析

サンプル調製及び分析：抽出の前に、ウイルス組織培養上清をDNase及びRNaseのカクテルで前処理して残留宿主細胞ゲノム核酸を除去した。続いて、ウイルスゲノムRNAをヌクレアーゼ処理サンプルからQiagenウイルスRNA抽出キット(Cat #52906)を用いて抽出した。抽出後、サンプルをDNaseで再び処理しウイルスゲノムRNAをさらに濃縮した。その後、ランダムプライムによる逆転写及びクレノーフラグメント処理を介して、ウイルスゲノムRNAを二本鎖cDNA(ds cDNA)に変換した。続いてds cDNA生成物を用いて、イルミナ系配列決定のためのライブラリーをNextEraXTライブラリー調製キット(Cat #FC-131-1024)で作製した。バイオフィーマティクスによる誤選別の確率を最小限にするために、各サンプルの5'末端及び3'末端の両方に固有のタグのバーコードを付した。このライブラリーを500サイクルキット(Cat #MS-102-2003)を用いてMiSeqで稼働させ、データをNextGene(バージョン5.1)及びSequencherソフトの組み合わせを用いて分析した。25を超えないQスコア中央値を含むものとして高品質配列を選択し、3'末端の3塩基を超えない不要塩基又は16未満のQスコア測定を有する連続3塩基を切り捨ててトリミングを実施した。続いて、35bpのストレッチにわたる85%以上のマッチングを基準にしてこれらの配列をde novoでアセンブリングして、各株の推定的PEDV完全ゲノムを作製した。続いて、鋳型をベースとするアラインメントによって前記推定的完全ゲノム配列を検証して、一ヌクレオチド多形性(SNP)又は可変性小挿入/欠失を確認した。

サンプル1251-125-10のために、合計570,253の配列(低品質データのトリミング後に136bpの平均長を有する)を作製した。これらの配列のうちで、484,247(84.9%)は27,995bp長の単一コンティグに集合し、前記はBLASTn分析により一本鎖RNAアルファコロナウイルスPEDVと強い同一性を示した。合計11の位置が一ヌクレオチド又は小挿入/欠失の多形性を示した。これらの位置を表1に示す。

【0050】

表1：単離株1251-125-10“125-10”の多形性残基

位置	残基の頻度	遺伝子
3,315	T (51%)、A (49%)	ORF1A/B
3,423-3,426	DEL (50%)、TTA (50%)	ORF1A/B
9,425	C (64%)、T (36%)	ORF1A/B
10,136	T (52%)、A (48%)	ORF1A/B
14,416	A (69%)、G (31%)	ORF1A/B
18,179	C (73%)、T (27%)	ORF1A/B
19,100	C (73%)、T (27%)	ORF1A/B
23,101	G (63%)、A (37%)	スパイク
25,057	T (59%)、10bp INS (41%)	スパイク
25,165-25,169	TTATG (74%)、DEL (26%)	ORF3
27,510	C (73%)、T (27%)	ORF3

10

【 0 0 5 1 】

1251-125-10 (配列番号:1) の推定的完全/準完全PEDVゲノムをPEDVの最も近い中国AH2012単離株 (GenBankアクセッション番号: KC210145) 及び北アメリカコロラド2013単離株 (GenBankアクセッション番号: AG058924) とアラインメントした (図1及び図2参照)。両単離株の同一性は99.2%を超え、両株 (ともに遺伝子グループ2a) と非常に近縁であることを示している。

20

次に、免疫原性スパイクタンパク質の配列をPEDVスパイクタンパク質のより大きなGenBank集積に対してタンパク質同一性/類似性について調査した。繰り返せば、付託された最も近いGenBank単離株は、ミネソタ大学獣医診断研究室によって寄託された北アメリカコロラド2013株 (GenBankアクセッション番号: AG058924) に由来し、99.5%同一性を示す (1386のうち1380がアミノ酸同一) (図3)。6つのアミノ酸変化のうち、1つは23,101位の多形性に起因し、前記は、838位において大半でCGA (Arg) 又は一部でCAA (Gln) をコードする。北アメリカコロラド2013株はこの位置にGlnを含む。

【 実施例 3 】

【 0 0 5 2 】

ウイルス不活化をモニターする方法

30

PEDVウイルスの各ロット又はプールをVERO細胞で継代することによって不活化についてチェックする。75cm²の24時間培養物に2.0mLの不活化PEDV液を接種し、36±3 で48時間維持した。1フラスコのVERO細胞を未接種のままにする。陽性ウイルスコントロールのために、VERO細胞の培養物の1つに陽性コントロールPEDVを接種する。インキュベーション期間の終了時に、単層細胞をPEDVに典型的なCPEについて調べた。材料を3回凍結融解し、続いて各材料の2mLを1日齢のVERO細胞に接種する。培養は37±2 で48時間維持されるべきである。第二回の継代に続いて、第三回の継代を実施する。インキュベーション及び継代の後で、免疫蛍光染色が得られないことによって決定される、BEI処理ウイルス液にウイルス感染細胞が存在しないことは、満足な不活化検査を構成する。陽性コントロールウイルスを接種されたコントロール細胞はPEDVに典型的なCPEを示し、非接種フラスコはPEDV CPEの証拠を示さないであろう。

40

【 実施例 4 】

【 0 0 5 3 】

PEDVスパイク抗原をコード及び発現する組換えバキュロウイルスの構築

改変PEDVスパイクタンパク質を発現する組換えバキュロウイルスを介して、バキュロディスプレイ-スパイク抗原を昆虫細胞で生成した。略記すれば、PEDVスパイクタンパク質 (配列番号:3) をコードする核酸配列 (配列番号:2) を、特異的なプライマー (フォワードプライマーは配列番号:4、リバースプライマーは配列番号:5) を用いて診断サンプルからクローン化した。PEDVスパイクシグナルペプチド、トランスメンブレンドメイン、及びC-末端ドメインを除去するために、前記クローン化PEDVスパイクコード配列を改変した (

50

配列番号:6)。これらのドメインは、オーバーラップ伸長PCRによって水疱性口内炎ウイルスGタンパク質(VSVG)に由来する等価ドメインと入れ替えられた。相補的な制限部位を用いて、VSVG-PEDVS-VSVGコード配列(配列番号:8)をバキュロウイルストランスファクター(pVL1393)に移した。改変スパイクタンパク質(配列番号:9)を発現するVSVG-PEDVS-VSVGスパイクコード配列を含むpVL1393ベクターを用いて、Sf9昆虫細胞をFlashBAC ULTRAバキュロウイルスDNAとともにコトランスフェクトした。組換えバキュロウイルスを増幅させ、PEDV特異的血清を用いてIFA及びウェスタンブロットによってPEDVスパイクタンパク質発現についてチェックした。PEDVスパイクタンパク質は、100,000gの遠心分離工程の後でバキュロウイルス粒子と一緒に沈殿することが示され、前記タンパク質はバキュロウイルスに随伴していることが示唆された。

10

【実施例5】

【0054】

PEDVスパイク抗原を含む医薬組成物(ワクチン)の調製

不活化PEDV材料のために、PEDVウイルス採集物を5mMのBEIで最小限24時間不活化し、澄清化して0.45µmフィルターでろ過した。

中和後、多様なアジュバントを添加し以下のワクチン/医薬組成物を生成した。

【実施例6】

【0055】

不活化PEDV及びバキュロウイルススパイクワクチンのブタへの接種並びに血清学的応答の評価

20

本実験の目的は、不活化PEDVウイルスの免疫原性をワクチン接種ブタの防御について示すことである。本実験で用いられたワクチンは、不活化PEDVウイルス及びバキュロディスプレイ-スパイク(バキュロ-S)タンパク質構築物を含んでいた。不活化PEDVワクチン及びバキュロディスプレイ-スパイク(バキュロ-S)タンパク質ワクチンはともにEMULSIGEN(商標)-BCLアジュバントを添加された。以前のチャレンジ実験は、臨床的防御とPEDVチャレンジから21日後の血液で検出されたIgA及びIgG応答との間で強い正の相関を示した(De Arriba et al. 2002)。したがって、プロトタイプワクチンの各々の血清学的応答をIgG及びIgA ELISA分析によって評価した。加えて、ウイルス中和アッセイを当該血清で実施した。

実験設計: 2つのプロトタイプPEDVワクチンに対する血清学的応答を判定するために実験を設計した。

30

18匹のブタ(D1で28±7日齢)を3処置グループに任意抽出し(表2参照)、実験期間中一室に収容した。D0、D14及びD28に動物の筋肉内にプラセボ又は2つのPEDVプロトタイプワクチンの1つを接種した。D0からD49までずっと臨床徴候についてブタをモニターした。D0 - D4、D14 - D18及びD28 - D32に直腸温度及び注射部位をモニターしてワクチンの安全性を判定した。糞便、口及び鼻の拭き取りサンプル並びに血清をD1、3、14、17、28、31及び49に仔猪から採取した。D1、14、28及び49に採取した血清サンプルを、抗PEDV-IgGについてはELISAによって及び中和抗体の存在についてはFFNアッセイによってスクリーニングした。D1、D3、17及び31に収集した糞便サンプル及び血清をPCRによって判定して、いずれのプロトタイプもブタで複製できないことを確認した。D14、28及び49の糞便サンプルを将来の評価の可能性のために-70℃で保存した。D49に動物を人道的に安楽死させ剖検した。

40

【0056】

表2: 実験設計の要旨

グループ (名称)	n	ワクチン	体積/用量
1. (BEI-VH)	7	EMULSIGEN(商標)-BCL(20% V/V)アジュバントを添加したBEI不活化PEDVウイルス採集物	2mL/5.6log TCID ₅₀
2. (バキュロ-S)	7	EMULSIGEN(商標)-BCL(20% V/V)アジュバント添加バキュロディスプレイ-スパイクタンパク質	1mL/866 μg/ mL全タンパク質
3.(コントロール)	4	プラセボ	2mL

10

【 0 0 5 7 】

プロトタイプワクチン：表4a及び4bはプロトタイプワクチンを記載している。プラセボ処置のために、2mLのPBS製品を投与した。バキュロディスプレイ-スパイク抗原は、改変PEDVスパイクタンパク質を発現する組換えバキュロウイルスにより昆虫細胞で生成した。略記すれば、PEDVスパイクタンパク質のためのコード配列を、特異的なプライマーを用いて診断サンプルからクローン化した。PEDVスパイクシグナルペプチド、トランスメンブレンドメイン、及びC-末端ドメインを除去するために、前記クローン化PEDVスパイクコード配列を改変した（配列番号：7）。これらのドメインは、オーバーラップ伸長PCRによって水疱性口内炎ウイルスGタンパク質（VSVG）に由来する等価ドメインと入れ替えた（配列番号：8）。相補的な制限部位を用いて、VSVG-PEDVS-VSVGコード配列をバキュロウイルス

トランスファクター（pVL1393）に移した。VSVG-PEDVS-VSVGスパイクコード配列を含むpVL1393ベクターを用いて、Sf9昆虫細胞をFlashBAC ULTRAバキュロウイルスDNAとともにコトランスフェクトした。組換えバキュロウイルスを増幅させ、PEDV特異的血清を用いてIFA及びウェスタンブロットによってPEDVスパイク発現についてチェックした。PEDVスパイクタンパク質は、100,000gの遠心分離工程の後でバキュロウイルス粒子と一緒に沈殿することが示され、前記タンパク質はバキュロウイルスに随伴していることが示唆された。不活化PEDV材料のために、PEDVウイルス採集物を5mMのEBIを用いて24時間不活化し、清澄化して0.45 μmフィルターでろ過した。

20

【 0 0 5 8 】

表4a：PEDVプロトタイプワクチン材料の要旨：不活化ウイルス採集物

30

材料：	0.45 μmフィルターろ過、BEI不活化ブタ伝染病ウイルスBI-VEROで7継代（製造等級トリプシン）；5.3log TCID ₅₀ /mL
ワクチン材料の検査	多様な希釈のBEI不活化材料を1回BI-VEROで継代。ウイルス増殖の欠如を抗PEDVポリクローナル血清によりIFAで確認した。処方ワクチンの無菌性は、血液寒天平板及びマッコンキー寒天平板に50 μLの材料を接種して決定。プレートを好氣的及び嫌氣的に48時間インキュベート。インキュベーション後に増殖は認められなかった。無菌試験は調製ワクチンバッチの各々について実施した（D0、D14及びD28）。
処方：	42mLのBEI不活化材料を3つの14mLアリコットに分割。1つのアリコットをD0、14及び28に37℃水浴で融解。各ワクチン接種日に、3.5mLのEMULSIGEN(商標)-BCL (MVP) を14mLの不活化材料に攪拌しながら1分間にわたってゆっくりと添加した。混合物を10分間攪拌し、ワクチンボトルに移し、4℃で保存した。

40

【 0 0 5 9 】

表4b：PEDVプロトタイプワクチン材料の要旨：バキュロディスプレイ-スパイク

材料：	パキユロFBU/PEDVS p2
ワクチン材料の検査	処方ワクチンの無菌性は、血液寒天平板及びマッコンキー寒天平板に50 μ Lの材料を接種して決定した。プレートを好氣的及び嫌氣的に48時間インキュベートした。インキュベーション後に増殖は認められなかった。無菌試験は調製ワクチンバッチの各々について実施した（D0、D14及びD28）。
処方：	27mLのパキユロディスプレー-スパイクタンパク質を3つの9mLアリコットに分割し4℃で保存。D0、14及び28に、2.0mLのEMULSIGEN(商標)-BCL (MVP) を8mLの材料に攪拌しながら1分間にわたってゆっくりと添加した。混合物を10分間攪拌し、4℃で保存した。

10

【0060】

PEDVワクチン接種：D0、14及び28に、研究者又は指名された者が全てのブタにワクチン材料を投与した。各豚は、2mLのBEI不活化PEDVワクチン、1mLのパキユロディスプレー-スパイクプロトタイプ、又は2mLのプラセボを筋肉内にそれら動物の齢に適切な無菌的注射針及び注射器を用いて投与された。D0及びD28に、ワクチンは首の右の筋肉組織に投与され、さらにD14には首の左の筋肉組織に投与された。

組織の収集：肉眼的病巣についてブタを評価した。異常は剖検で記録した。小腸及び結腸の新鮮サンプル並びに肺臓、心臓、脾臓、腎臓、小腸、結腸及び肝臓の固定切片を収集した。新鮮サンプルは、BIVI-Amesにて実験の完了後最低でも6カ月間-70℃で保存した。固定切片は、BIVI-Amesにて実験の完了後最低でも6カ月間室温で保存した。

20

ウイルスアッセイ：PEDV RT-PCR：表3に記載したようにRT-PCRによってサンプルをスクリーニングした。定量的-工程RT-PCRキット（iScript™ -工程RT-PCRキットプローブ用；BioRad, cat no. 170-8895）をアッセイに用いた。プライマー、プローブ及びウルトラマーの配列情報は以下のとおりである：PEDV-qPCR-プローブ、5'-6-FAM/ACAGAGCCTGTGTTGGTGTATAGTAACAT-3' BHQ_1（配列番号：16）；PEDV-qPCR-F、5'-TATAGTGGGTGTTATTTCTAGTT-3'（配列番号：17）；PEDV-qPCR-R、5'-GCCAATACTGCCAGATTTACA-3'（配列番号：18）、PEDV-ウルトラマー、5'-TGATGATATAGTGGGTGTTATTTCTAGTTTGTCTAGCTCCACTTTTAACAGTACTAGGGAGTTGCCTGGTTTCTTCTACCATTTCTAATGATGGCTCTAATTGTACAGAGCCTGTGTTGGTGTATAGTAACATAGGTGTTTGTAAATCTGGCAGTATTGGCTATGTCCCAT-3'（配列番号：19）。リアルタイムPCRは、以下を含む25 μ Lの反応物中で実施した：2 μ Lの抽出全核酸、0.75 μ Lのプローブ（4 μ M）、0.5 μ Lの各プライマー（10 μ M）、12.5 μ Lの2xのRT-PCRミックス、0.5 μ LのiScript™逆転写酵素及び8.25 μ LのDEPC-処理水。反応はCFX96リアルタイムPCR検出系（BioRad）を用い以下の条件下で実施した：50℃で30分の最初の逆転写、続いて95℃で5分の最初の変性、40サイクルの95℃15秒変性並びに57℃30秒アニーリング及び伸長。光学データはCFXマネージャーソフト（バージョン2.1、BioRad）を用いて分析した。各決定のために、サイクル閾値（Ct）決定モードのための回帰設定を用い、閾値ラインは自動的に計算された。10未満のベースライン末端値を有する曲線を手動で改変した。サンプルを単一反応で走らせ、ウルトラマーによる標準曲線を用いて定量的な量を決定し、マイクロリットル当たりのゲノムコピー（gc/ μ L）として報告した。40サイクル以降で検出が存在しないサンプルは陰性と考

30

40

【0061】

抗PEDV-IgG ELISA：表3に記載したようにサンプルをELISAでスクリーニングした。プレートを4ng/ μ LのPEDV-1251-125-2で1時間37℃にて被覆した。洗浄に続いて、100 μ Lの1：100希釈血清サンプル（IgGのためのアッセイ）で被覆し1時間37℃にてインキュベートした。洗浄後、ウェルを0.05%脱脂乳で遮断し、1時間37℃でインキュベートした。洗浄後、ウェルをセイヨウワサビペルオキシダーゼ（HRP）結合ヤギ抗ブタIgGの1：10,000希釈の100 μ Lで被覆し、1時間37℃でインキュベートした。洗浄後、プレートを3,5,3',5'-テトラメチルベンジジンで5分間デベロップし、さらに450nmでの光学密度（OD）の測定前に2MのH₂SO₄で反応を停止した。サンプルは2組のウェルで走らせ、結果はサンプル対陽性（S

50

：P) 比の平均として報告される。陽性対陰性解釈のためのカットオフ値はどちらのELISAアッセイのためにも設定されていないので、より高い2標準偏差の合計 + 最も高いコントロールグループ平均よりも大きいS : P比を有するサンプルは陽性と考えられる (S : P比 > 0.28又はIgGアッセイについてはS : P比 > 0.16)。

PEDV蛍光フォーカスアッセイ (PEDV fluorescence focus assay) : PEDV FFNアッセイを実施した。前記アッセイは、細胞培養馴化PEDV株を用いる、ウイルス中和アッセイによって96ウェル様式でスクリーニングされる2組の血清希釈シリーズから成っている。力価は、陰性コントロールと比較して蛍光中心の90%減少を示す最大の血清希釈として報告される。各サンプルについて、2組のウェルの力価が平均される。

データの統計分析 : データ解析は、JMP 9.0.3 (SAS Institute, Inc., Cary, North Carolina, USA) を用いてモニターによって実施された。全ての解析について、0.05未満のp-値は有意と考えられた。データ (血清学) の繰返し測定のために、このモデルでは、繰返し変動として時間を用いて多重分散分析を実施した。有意なp-値が認められたら、独立要因としてのグループを用いて一元配置分散分析を実施した、別々の分析を各々の日について実施した。有意なp-値が認められたら、Wilcoxon調整ペアワイズ比較を用いてグループの平均間のペアワイズ相違を評価した。

血清学 (PEDV蛍光フォーカス中和 (FNN) アッセイ) : 個々の動物結果については表5を参照されたい。BEI-VHグループの全動物が中和力価について4倍の増加を示し、一方、グループ2では7匹の動物のうち2匹のみが同様な応答を示した。コントロール動物は検出可能な中和力価を示さなかった。

【 0 0 6 2 】

表5 : D1、14、28及び49の試験のPEDV蛍光フォーカス中和アッセイの結果 (下線を付した細胞は0より高い力価を有する)

動物 No.	PEDV グループ	試験日			
		-1	14	28	49
131	BEI-VH	0	0	<u>80</u>	<u>120</u>
132		0	0	<u>60</u>	<u>80</u>
134		0	0	<u>40</u>	<u>80</u>
142		0	0	<u>160</u>	<u>80</u>
143		0	0	<u>80</u>	<u>160</u>
146		0	0	<u>30</u>	<u>60</u>
148		0	0	<u>40</u>	<u>160</u>
133	バキュロ-S	0	0	<u>20</u>	0
135		0	0	0	0
136		0	0	0	0
139		0	0	0	0
141		0	0	0	0
144		0	0	0	<u>40</u>
145		0	0	0	<u>120</u>
137	コントロール	0	0	0	0
138		0	0	0	0
140		0	0	0	0
147		0	0	0	0

【 0 0 6 3 】

抗PEDV-IgG ELISA : 個々の動物のサンプル対陽性 (S : P) 比は下記の表6に示される。グループ1 (BEI-VH) の全ての動物がD28までに検出可能なIgG応答を示し、前記応答はコントロールグループの平均S : P比と比較してより高い少なくとも2標準偏差であった。対照的に、グループ2 (バキュロ-S) では2匹の動物のみが、3用量のワクチンを投与された

後でのみ検出可能なIgG応答を示した。グループ最小二乗平均S:P比±標準誤差が図4に示されている。D28までに、グループ1(BEI-VH)の動物は、グループ2及びグループ3と比較して有意に高いS:P比を示した($p < 0.01$ 、Wilcoxon調整ペアワイズ比較)。

【0064】

表6: D1、14、28及び49の個々の抗PEDV-IgG S:P比(下線を付した値は、コントロールグループのD49における平均S:P比よりも少なくとも2標準偏差高いS:P比を示す)

動物 No.	PEDV グループ	実験日			
		D1	D14	D28	D49
131	BEI-VH	0.078995	0.119838	<u>0.452301</u>	<u>0.93054393</u>
132		0.085278	0.126571	<u>0.317992</u>	<u>0.58200837</u>
134		0.069569	0.183124	<u>0.328033</u>	<u>0.65230126</u>
142		0.057002	0.094704	<u>0.392887</u>	<u>0.62552301</u>
143		0.049372	0.150808	<u>0.351464</u>	<u>0.59874477</u>
146		0.048923	0.079443	<u>0.296653</u>	<u>0.65104603</u>
148		0.069569	0.130162	<u>0.498326</u>	<u>0.75774059</u>
133	バキュロ-S	0.066427	0.093806	0.086611	0.13807531
135		0.058348	0.109964	0.156904	<u>0.28410042</u>
136		0.04623	0.09605	0.094142	0.18995816
139		0.054309	0.067325	0.093305	0.18158996
141		0.051167	0.061041	0.079916	0.14937238
144		0.061041	0.14632	0.138075	<u>0.34644351</u>
145		0.042639	0.064183	0.079916	0.20292887
137	コントロール	0.05386	0.071364	0.135146	0.21464435
138		0.050269	0.062837	0.082427	0.21631799
140		0.048923	0.060144	0.089121	0.18661088
147		0.064632	0.090664	0.127615	0.25941423

PEDVウイルス血症/排出: ワクチン接種後のウイルス排出及びウイルス血症の可能性を査定するために、各ワクチン接種から4日目(D3、D18及びD31)にPEDV RNAの存在についてRT-PCRによって血清及び糞便サンプルをスクリーニングした。PEDV RNAは当該サンプルのいずれでも検出されなかった。

結論: 上記実験の血清学的データを総合すれば、バキュロディスプレイ方法によって発現され、EMULSIGEN(商標)-BCLアジュバントが添加されたPEDVスパイクタンパク質(1用量当たり866 µgで提供される)の3用量は持続的な血清学的応答をもたらすことはできなかった。この場合、応答の欠如は、ワクチンが十分に免疫原性ではなかったか(すなわちタンパク質が十分な量でデリバリーされなかったか、又は不適切なアジュバントが用いられた)、又は組換えスパイクタンパク質の構造が野生型ウイルスと同様ではなかったことを示している。

逆に、抗PEDV IgG及びFFN血清学的データは、EMULSIGEN(商標)-BCLアジュバントを添加された2又は3用量のBEI不活化PEDVウイルス採集物(5.6log/用量で投与)は、ナイーブなブタで持続的に血清学的応答を誘引できることを示唆している。しかしながら、ワクチン接種動物における抗PEDV-IgG S:P比の平均はフィードバック材料を投与された動物と比較して低かった。特に、サンプリング前にフィードバック材料を投与された一群に由来する45匹の動物の抗PEDV-IgG S:P比(±標準偏差)の平均は、ワクチン接種動物の 0.69 ± 0.12 に対して 0.90 ± 0.20 であることが判明した(データは示さず)。加えて、Dr. Eric Nelsonとの私的な意見交換によれば、本実験におけるワクチン接種動物の7匹のうち5匹のFFN力価は、フィードバック投与後に典型的に認められる力価より低かった。

【実施例7】

【0065】

BEI不活化PEDV有効性（3用量、多様なアジュバント）

（実験2013131）Troy Kaiser

以下の実験は、死滅PEDVワクチンの3用量（1用量は2mL）を3週齢のブタに14日間隔で投与したときに免疫応答を誘引できるか否かを判定した。一次成果は蛍光フォーカス中和（FFN）による血清学的試験であった。

実験グループは以下を含んでいた：T01 = PBS（n = 10）；T02 = 6.04log TCID₅₀/mL BEI PEDV + 20% EMULSIGEN(商標)-BCL（n = 18）；T03 = 6.04log TCID₅₀/mL BEI PEDV + 10% EMULSIGEN-D(商標)（n = 20）；T04 = 6.04log TCID₅₀/mL BEI PEDV + 15% Rehydragel(商標)；T05 = 6.04log TCID₅₀/mL BEI PEDV + 5% S:P油（n = 20）。

【0066】

表7：ワクチン処方及びコントロール

処置		詳細
T01	陰性コントロール(NC)	リン酸緩衝食塩水（1x）
T02	実験ワクチン(EV)	バイナリーエチレンイミン不活化PEDV(6.04log ₁₀ TCID ₅₀ /mL)、20% EMULSIGEN(商標)-BCLアジュバント添加
T03	実験ワクチン(EV)	バイナリーエチレンイミン不活化PEDV(6.04log ₁₀ TCID ₅₀ /mL)、10% EMULSIGEN(商標)-Dアジュバント添加
T04	実験ワクチン(EV)	バイナリーエチレンイミン不活化PEDV(6.04log ₁₀ TCID ₅₀ /mL)、15% REHYDRAGEL(商標)アジュバント添加
T05	実験ワクチン(EV)	バイナリーエチレンイミン不活化PEDV(6.04log ₁₀ TCID ₅₀ /mL)、5% S:P油アジュバント添加

D0で、ブタの首の右の筋肉内に2mLの処置物を投与した。2回目の処置物は、D14に首の左に投与し、さらに3回目の処置物はD28に全グループで首の右に投与した。血液サンプルをD1、D13、D27、D42及びD49に収集した。FFNを用いてPEDV中和抗体について血清を試験した。

血清学：血清変換は2回のワクチン接種後に11.2%のブタで生じ、20%のEMULSIGEN(商標)-BCLアジュバント添加PEDVワクチンを3回接種したときには55.6%のブタが血清変換を生じた（T02；表8）。全ての処置グループについて1：20以上の血清陽性ブタの幾何平均力価が下記の表8に提示される。全てのブタの処置グループによる力価の度数分布は表9に提示される。

【0067】

表8：血清陽性ブタの割合及び血清学的に応答したブタのグループによる幾何平均力価

グループ	1：20以上の応答を有するブタ	幾何平均力価
T01	0/10 (0%)	適用不能
T02	10/18 (55.6%)	1:45.9
T03	6/20 (30%)	1:44.8
T04	2/20 (10%)	1:40.0
T05	2/20 (10%)	1:56.6

表9：グループによる力価の度数分布

グループ	n	PEDv中和抗体*						
		< 1:20	1:20	1:28	1:40	1:80	1:113	1:160
T01	10	10(100%)	0(0.0%)	0(0.0%)	0(0.0%)	0(0.0%)	0(0.0%)	0(0.0%)
T02	18	8(44.4%)	2(11.1%)	1(5.6%)	4(22.2%)	1(5.6%)	1(5.6%)	1(5.6%)
T03	20	14(70.0%)	1(5.0%)	1(5.0%)	2(10.0%)	1(5.0%)	1(5.0%)	0(0.0%)
T04	20	18(90.0%)	1(5.0%)	0(0.0%)	0(0.0%)	1(5.0%)	0(0.0%)	0(0.0%)
T05	20	18(90.0%)	0(0.0%)	0(0.0%)	1(5.0%)	1(5.0%)	0(0.0%)	0(0.0%)

*D42又はD49の最大力価

【 0 0 6 8 】

結論：血清変換は2用量投与後にT02ブタの11.2%で生じ、さらに血清変換は、バイナリーエチレンイミン不活化20% EMULSIGEN(商標)-BCLアジュバント添加の6.04 log₁₀ TCID₅₀/mL処方の実験ワクチンを3回投与したときに55.6%のブタで生じた。この実験から収集されたデータは、この実験ワクチンは合理的な有効性予想の主張を支持する免疫応答を誘引したことを示している。

【実施例 8】

【 0 0 6 9 】

パキユロウイルスワクチンの有効性（2用量、多様なアジュバント）

（実験2014236）Kara Claxton

以下の実験では、2用量（1用量は2mL）の死滅ブタ流行性下痢ウイルス（PEDv）ワクチン又はパキユロウイルス構築物ワクチンによるワクチン接種に対する血清学的応答（3週齢のブタにいずれかのワクチンの投与後に測定される）が評価された。一次結果は処置ブタにおけるワクチン接種後に収集した血清サンプルについて蛍光フォーカス中和（FFN）によって試験した血清学とした。

実験グループは以下を含んでいた：T01 = PBS（n = 10）；T02 = 6.93log TCID₅₀/mL BEI PEDV + 20% EMULSIGEN(商標)-BCL（n = 20）；T03 = PEDVスパイク抗原を有するパキユロウイルス（n = 9）；6×濃縮のPEDVスパイク抗原を有するパキユロウイルス（n = 10）；PEDVスパイク抗原を有するトリプシン パキユロウイルス（n = 10）；及び条件付きで認可された死滅陽性コントロールワクチン（POS CON）（n = 10）。D0に、首の右の筋肉内に2mLの処置物を投与した。2回目の処置物は、T01 - T05についてはD14に首の左に、T06についてはD21に投与された。

【 0 0 7 0 】

表10：ワクチン処方及びコントロール

10

20

30

処置		詳細
T01	陰性コントロール(NC)	食塩水 (PBS 1 x)
T02	実験ワクチン(EV)	BEI不活化 $6.93\log_{10}$ TCID ₅₀ /mL PEDvのブタ流行性下痢ウイルス、20% EMULSIGEN-BCLアジュバント添加
T03	EV	ウイルスエンベロープにディスプレイされたPEDvスパイク糖タンパク質を有する組換えバキュロウイルス*
T04	EV	ウイルスエンベロープにディスプレイされたPEDvスパイク糖タンパク質を有する組換えバキュロウイルス*、清澄不活化材料は処方前に約6 x に濃縮
T05	EV	ウイルスエンベロープにディスプレイされたPEDvスパイク糖タンパク質を有する組換えバキュロウイルス*、組換えPEDvスパイクディスプレイバキュロウイルスは感染中に10 μ g/mLのトリプシンが添加された昆虫細胞で生成
T06	陽性コントロール(PC)	iPED+ (Harrisワクチン—条件付き認可)

10

BEI = バイナリーエチレンイミン

*PEDvスパイクシグナル配列及びC-末端テールはバキュロウイルスgp64等価物で入れ替えられた。組換えPEDvスパイクディスプレイバキュロウイルスは昆虫細胞で生成された。感染培養を採集し遠心分離及び0.2 μ mフィルターろ過によって清澄化した。清澄化採集物を5mM BEIで37 にて72時間不活化し、続いて遠心分離及び0.2 μ mフィルターろ過によって清澄化した。

20

血清学：ワクチン接種後の血清変換 (D28及びD35) は、20% EMULSIGEN-BCLアジュバント添加PEDvワクチン接種ブタ (T02; 表 1 1) の20%、及びトリプシン増殖PEDV SPIKE-バキュロウイルスワクチン接種ブタ (T05; 表 1 1) の60%で生じた。全ての処置グループについて1: 20以上の血清陽性ブタの幾何平均は下記表 1 1 に提示される。全てのブタの処置グループによる力価の度数分布は表12に提示される。

【 0 0 7 1 】

表11：血清陽性ブタの割合及び血清学的に応答したブタのグループによる幾何平均力価

30

グループ	1: 20以上の応答を有するブタ	幾何平均力価
T01	0/10 (0%)	適用不能
T02	4/20 (20%)	1: 30.7
T03	0/9 (0%)	適用不能
T04	0/10 (0%)	適用不能
T05	6/10 (60%)	1: 35.5
T06	7/10 (70%)	1: 41.9

40

表12：グループによる力価の度数分布

グループ	n	PEDV中和抗体*							
		<1:20	1:20	1:28	1:40	1:57	1:80	1:113	1:160
T01	10	10 (100%)	0 (0.0%)	0 (0.0%)	0 (0.0%)	0 (0.0%)	0 (0.0%)	0 (0.0%)	0 (0.0%)
T02	20	16(80%)	1(5%)	2(10%)	0 (0.0%)	1 (5%)	0 (0.0%)	0 (0.0%)	0 (0.0%)
T03	9	9 (100%)	0 (0.0%)	0 (0.0%)	0 (0.0%)	0 (0.0%)	0 (0.0%)	0 (0.0%)	0 (0.0%)
T04	10	10 (100%)	0 (0.0%)	0 (0.0%)	0 (0.0%)	0 (0.0%)	0 (0.0%)	0 (0.0%)	0 (0.0%)
T05	10	4(40%)	2(20%)	2(20%)	1(10%)	0(0.0%)	0(0.0%)	0(0.0%)	1(10%)
T06	10	3(30%)	2(20%)	2(20%)	0(0.0%)	0(0.0%)	2(20%)	1(10%)	0(0.0%)

10

結論：血清変換は、BEI不活化20% EMULSIGEN BCLアジュバント添加PEDVの $6.93 \log_{10}$ TCID₅₀/mLで処方された実験ワクチンの2回投与後にT02ブタの20%で生じた。血清変換は、PEDVスパイク糖タンパク質で処方された実験的組換えトリプシン増殖バキュロウイルスワクチンの2回投与後にT05ブタの60%で生じた。

【実施例 9】

【0072】

20

有効性実験

POC有効性（実験2014030） Abby Patterson

以下の実験は、死滅ワクチン及び他のプロトタイプのワクチンの有効性をブタで査定するために設計した。一次成果のパラメーターは、ブタ流行性下痢ウイルス（PEDV）によるチャレンジ後の仔豚の死亡率である。二次成果のパラメーターは母獣の血清学である。測定される他のパラメーターには、ワクチン接種後のブタの臨床徴候（ISLを含む）；ワクチン接種後のブタのPEDV排出（qRT-PCRによる）；仔豚の臨床徴候；及び仔豚のPEDV血清学が含まれる。

分娩前4週間及び2週間に（D0及びD14）、各妊娠母獣に以下の処置の1つの2mLを3つのルート（筋肉内、鼻内及び経口）で投与した：T01（陰性コントロール、NC）、リン酸緩衝食塩水；T02（BEI-VH）、20% EMULSIGEN BCLアジュバント添加；T03（厳密コントロール、SC）、非ワクチン接種/非チャレンジコントロールとして供される。各グループに8匹の動物を用いたが、ただしT06は4匹の動物を含んでいた。D35又はD36に、ブタを1mLの $2.0 \log_{10}$ TCID₅₀/mL PEDVウイルス採集物で経口的にチャレンジした。母獣及びブタの臨床徴候（嘔吐及び下痢）をチャレンジ期の間毎日観察した。血清を母獣から以下の時期に収集した：分娩前4週間及び2週間（D0及びD14）、仔豚のチャレンジ前日（D34又はD35）、及びオフ-テスト日（D57）。

30

D0及びD14に、PEDVプロトタイプワクチンをブタに投与した。各ワクチン接種で、ブタに合計6mLのワクチンを与えた（2mLを筋肉内、鼻内及び経口ルートで投与）。筋肉内投与ルートのために、2mL注射物を首の耳下に与えた。首の投与側は初回ワクチン接種及びブースター接種で変えた。経口投与ルートのために、注射器に取り付けた8Frポリプロピレンカテーテル（直径2.7mm、長さ254mm）を用い、中咽頭尾（caudal oropharynx）を超えて2mLをデリバーした。鼻内ルートのために、注射器に取り付けた約11.3cm（4.5インチ）のカテーテルを用い、各鼻孔に1mLを注射した。

40

【0073】

表13：実験ワクチン及びコントロール

処置	グループ	通し番号	詳細
T01	NC	2842-182-D	1 x リン酸緩衝食塩水 (Gibco cat# 10010-023; Lot.#1510272)
T02	BEI-VH	2842-182-E	KV-1251-125-10-OK、0.2 μ m フィルターろ過、継代MSV+5、6.04 log TCID ₅₀ /mL。ウイルス採集物は5mM BEI、72時間、37℃で不活化。処方のために、EMULSIGEN BCL (MVP lot#17006、製造日2/11/11) を20%含有率で添加

10

表14：チャレンジ材料

PEDVチャレンジ株	単離株id. 1251-140-4；5継代
チャレンジ調製物	Vero細胞で増殖
チャレンジ材料用量	2.0 log ₁₀ TCID ₅₀ /mLの1mL
チャレンジ材料検査	投与前にチャレンジウイルスを2013EU Vero細胞で力価測定し (5.03 TCID ₅₀ /mL)、2 log TCID ₅₀ /mLに希釈
投与方法	ブタを手で拘束して経口投与 (注射器による)

【0074】

20

ワクチン有効性 (ブタの死亡率)：病毒性PEDV単離株によるチャレンジ後のブタの死亡率は、ワクチンの有効性を査定するために用いられた一次成果のパラメーターであった。チャレンジ期間中のグループの死亡率の要旨は下記に示されている。T01 (NC) における5%の死亡率及び全同腹仔豚の罹患により、このチャレンジは十分に病毒性であったと考えられる。T01 (NC) と比較して、T02 (BEI-VH) は、0.20 (-0.550、0.586) のPF (95% CI) によりブタ死亡率で数字的低下を示した。この低下は、95% CI (-0.550、0.586) が0を含むので統計的に有意ではなかった。

超二項変動 (extra-binomial variation) がこの実験では明白であり、基本的二項分布を利用したとき、T02 (BEI-VH) PFのために広い信頼区間をもたらした。死亡率はグループ内の同腹仔豚間で変動し、T02 (BEI-VH) については0%から100%の範囲であった。

30

腸サンプル又は腸内容物を剖検時に採取し、PEDV抗原検出のためにqRT-PCRで調べた。死亡率が最高であった時期の動物の被験サンプルで、PEDVはサンプルの55.5%で検出された。

【0075】

表15：

グループ	死亡率比 概算	標準 誤差	防御 分画*	95%信頼区間	死亡率 中央値	最少%/最大%
NC	0.55	0.11	・	・	52.78	12.50/100.00
BEI-VH	0.44	0.10	0.20	(-0.550, 0.586)	34.29	0.00/100.00

40

*罹患したT01 (NC) の割合を基準にする。

**NC = 計算せず。T02 (BEI-VH) のために可能な信頼区間は実験設計に基づく。

【0076】

ブタの血清学 (蛍光フォーカス中和 (FFN) アッセイ)：FFNアッセイを用いて、ワクチン接種及びチャレンジ後の母獣のウイルス中和応答を査定した。グループによって示される幾何平均力価は、ブタから血液を収集した日について下記に示されている。

2用量のワクチン接種後、T02 (BEI-VH) のブタの2/8 (25%) が検出可能レベルの中和抗体を示した。検出可能レベルの中和抗体は他の群のいずれのブタでも認められなかった。

PEDVの側面からの暴露後に、暴露処置グループの全てのブタが検出可能レベルの中和抗

50

体を示した。T03 (SC) グループの動物はこの試験を通じて血清陰性のままであった。D57 (暴露後約21日後) における幾何平均力価は、T01 (NC) と比較して、数値的に高い力価をもたらした。T02 (BEI-VH) グループのブタは613のGMTを有し、これは、T01 (NC) のブタのGMT (200) と比較して約3倍高い ($p = 0.005$)。T02 (BEI-VH) グループの多数のサンプルが、被験最高希釈 (1:640) で検出可能な中和抗体を有していたので、これらの結果はおそらくグループ間の相違の保存的な評価を表しているであろう。

【 0 0 7 7 】

表16 :

処置	グループ	幾何平均力価(Geometric Mean Titer)*			
		実験日**			
		D0	D14	D34又はD35	D57
T01	NC	< 20	< 20	< 20	200
T02	BEI-VH	< 20	< 20	15	613
T03	SC	< 20	< 20	< 20	< 20

10

全ての値が < 20 の場合、幾何平均力価は < 20 と表される。そうでない場合、< 20 の値は GMT 計算のために 10 と設定された。

* T01 (NC) 及び T02 (BEI-VH) のための D57 GMT は戻し変換最小二乗平均である。

S1系ELISAデータ：S1系ELISAを用いて、ワクチン接種及びチャレンジ後のPED-スパイクタンパク質に対する母獣の応答を査定した。初乳、乳及び血清のアッセイ結果は、サンプルを収集した日のグループについて示されている。

20

ブタのチャレンジ時に、T02 (BEI-VH) のブタは、T01 (NC) と比較して血清で有意に高い幾何平均力価を示した ($p = 0.0005$)。PEDVへの暴露後、より顕著な有意差がこの2つのグループ間で認められた ($p < 0.0001$)。

初乳及び乳の抗PEDV IgAの幾何平均力価における有意な相違は、T02 (BEI-VH) 及びT04 (NC) 間では観察されなかった。

【 0 0 7 8 】

表17 :

処置	グループ	幾何平均力価*			
		実験日			
		D27からD32 : 初乳	D34又はD35 : 血清	D57 : 血清	D57 : 乳
T01	NC	0.186	0.098	0.504	0.220
T02	BEI-VH	0.139	0.256	1.499	0.244
T03	SC	0.134	0.125	0.164	0.088

30

* T01 (NC) 及び T02 (BEI-VH) に関する GMT は戻し変換最小二乗平均である。

【 0 0 7 9 】

ブタの血清学：剖検時に血清をブタから収集して中和抗体の存在を判定した。下記の表は、グループによる陽性ブタの幾何平均FFN力価を示す。この表はまた、被験動物数に対する20以上のGMTを有するブタの数として表される検出頻度を含む。試験は全ての利用可能なサンプルについて実施した。多くのブタのサンプルが、死亡と剖検との間の時間差のために入手不能であった。

40

死亡率状況 (死亡：あり/なし) 及びグループ (全体) によるFNN力価の記述統計は下記に示されている。全体として、ワクチン接種グループで同様な割合のブタが、剖検の時期に関わらず血清変換した (又は移行抗体 (maternal antibody) を有していた)。しかしながら、T01 (NC) では、実験期間中生存したブタ (43%) と比較して、オフテスト前に死亡したブタではより高いパーセンテージ (88%) で力価を示した。

グループによる全体的なブタの力価を見ると、死亡率比概算はT02 (BEI-VH) につい

50

て全体的グループFFNパーセンテージと逆相関していた。

【 0 0 8 0 】

表18：

グループ	ブタ(死亡:あり)	ブタ(死亡:なし)	全体	死亡率比概算
NC	55 (28/32; 88%)	33 (9/21; 43%)	63 (37/53; 59%)	0.55
BEI-VH	44 (23/42; 55%)	50 (9/16; 56%)	64 (32/58; 55%)	0.44

*GMT（力価20以上の動物数/被験ブタの総数；パーセンテージ）；すべてのブタから血清が入手されたわけではないことに留意されたい。

【 0 0 8 1 】

チャレンジ後の臨床的知見（ブタの糞便スコア）：グループ及び死亡率状況（死亡：あり/なし）による、ブタで異常な糞便が観察される期間の記述統計は下記に示される。全体として、同じ死亡率状況を有するブタにおける異常糞便スコア持続期間の中央値はグループ間で類似する。死亡した又は安楽死させた動物では、異常糞便スコア持続期間中央値は数値的に短い。この傾向はT01（NC）ブタでもっとも明白で、おそらくこれらの動物の大半がチャレンジ後の最初の週に死亡したという事実から派生する。

【 0 0 8 2 】

表19：

異常糞便スコアの期間（日数）						
死亡	グループ	ブタ数	中央値	最小	最大	標準偏差
なし	NC	32	5.5	3.5	7.0	0.8
	BEI-VH	42	6.0	4.5	8.5	0.8
あり	NC	39	2.3	0.5	6.0	1.3
	BEI-VH	33	4.3	2.0	6.0	1.4

ブタの糞便スコアの重篤度は下記の度数表で要約されている。全ての処置グループで、高い割合のブタ（＞91%）が、チャレンジ後少なくとも1つの観察で糞便スコア2を提示した。

表20：

グループ	最大糞便スコア			
	0	1	2	合計
NC	1 1.41	5 7.04	65 91.55	71
BEI-VH	1 1.33	0 0.00	74 98.67	75
合計	2	5	139	146

【 0 0 8 3 】

結論：T01（NC）グループと比較してブタ死亡率の20%低下がT02（BEI-VH）で認められた。この実験では3ルートの投与を試みた。3つのルートを用いたが、アジュバント及びワクチン処方に基づけば、IM以外のルートがT02（BEI-VH）の有効性に寄与するとの期待は存在しない。不活化PEDVの20%EMULSIGEN-BCL（商標）アジュバント添加ワクチン（不活化前最低力価は6.04 log TCID₅₀/mL）は、全体として仔豚及びブタでより良好な免疫応答を誘発するように思われた。好ましいワクチン接種スケジュールは、3週齢以後の仔豚への2週間間隔での3用量（1用量は2mL）のIMルート投与である。ワクチン接種後のブタの臨床徴候はT02（BEI-VH）で観察されず、他の処置グループに限定された。ワクチン接種が生存出産ブタのパーセンテージに影響を与えるようには思われなかった（データは示されていない）。

母獣の血清学は、二次パラメーターとして、2つの別々のアッセイ（蛍光フォーカス中和、S1系ELISA）によって判定された。両アッセイは、T01（NC）と比較してワクチン接種及び暴露後のT02（BEI-VH）における力価の有意な増加を示した。FFNアッセイの公知の限界のために、サンプルをS1系ELISAでも試験した。このELISAは、スパイクタンパク質のS1ドメインが中和エピトープを含むと予想されるので選択した。

PEDVの側面暴露の後で、暴露処置グループの全動物が検出可能レベルの中和抗体を示した。T02（BEI-VH）のブタは、T01（NC）と比較して約3倍高い力価を有した。このことは、ワクチンの使用は最初の一次応答を刺激し、チャレンジウイルスへの暴露の後でより強い二次応答をもたらしたことを証明している。T02（BEI-VH）グループの多くのサンプルが試験した最高希釈（1:640）で検出可能な中和抗体を有していたので、これらの結果はおそらくグループ間の相違の保存的な評価を表しているであろう。

10

【 0 0 8 4 】

表21：ブタ死亡率及びブタの血清学的データが下記に要約される

処置	グループ	FFN (ブタ血清D21)	IgG ELISA (ブタ血清D21)	ブタ死亡率 (%)	予防分画 (ブタ死亡率)
T01	NC	200	0.504	55%	・
T02	BEI-VH	613	1.499	44%	0.20
T03	SC	< 20	0.164	NA	NA

20

本明細書で開示及び特許請求した組成物及び方法のいずれも、本開示に照らして煩瑣な実験を行うことなく達成及び実施することができる。本発明の組成物及び方法を好ましい実施態様の関係で記載してきたが、本明細書に記載の組成物及び方法並びに当該方法の工程及び一連の工程に、本発明の概念、趣旨及び範囲から外れることなく変更を適用できることは当業者には明白であろう。より具体的には、化学的及び生理学的に関連する一定の薬剤を本明細書の薬剤の代用とし、一方、同じ又は類似の結果が達成されることは明白であろう。当業者に明白なそのような全ての代用及び改変は、以下の特許請求の範囲によって規定される本発明の趣旨、範囲及び概念内であるとみなされる。

【 0 0 8 5 】

以下の参考文献は、それらが例示的手順又は本明細書に示す詳細をさらに補足する範囲で、参照によりその全体が本明細書に含まれる。

30

（参考文献）

1. Bridgen A, Duarte M, Tobler K, Laude H, Ackermann M. 1993. Sequence determination of the nucleocapsid protein gene of the porcine epidemic diarrhoea virus confirms that this virus is a coronavirus related to human coronavirus 229E and porcine transmissible gastroenteritis virus. J. Gen. Virol. 74 (Pt 9):1795-1804.
2. Duarte M, Gelfi J, Lambert P, Rasschaert D, Laude H. 1993. Genome organization of porcine epidemic diarrhoea virus. Adv. Exp. Med. Biol. 342:55-60

40

3. Tobler K, Bridgen A, Ackermann M. 1993. Sequence analysis of the nucleocapsid protein gene of porcine epidemic diarrhoea virus. *Adv. Exp. Med. Biol.* 342:49–54.
4. Oldham J. 1972. Letter to the editor. *Pig Farming* 1972(October suppl):72–73.
5. Pensaert MB, de Bouck P. 1978. A new coronavirus-like particle associated with diarrhea in swine. *Arch. Virol.* 58:243–247.
6. Chen JF, Sun DB, Wang CB, Shi HY, Cui XC, Liu SW, Qiu HJ, Feng L. 2008. Molecular characterization and phylogenetic analysis of membrane protein genes of porcine epidemic diarrhea virus isolates in China. *Virus Genes* 36:355–364.
7. Nagy B, Nagy G, Meder M, Mocsári E. 1996. Enterotoxigenic *Escherichia coli*, rotavirus, porcine epidemic diarrhoea virus, adenovirus and calici-like virus in porcine postweaning diarrhoea in Hungary. *Acta Vet. Hung.* 44:9–19. 10
8. Martelli P, Lavazza A, Nigrelli AD, Meriardi G, Alborali LG, Pensaert MB. 2008. Epidemic of diarrhoea caused by porcine epidemic diarrhoea virus in Italy. *Vet. Rec.* 162:307–310.
9. Takahashi K, Okada K, Ohshima K. 1983. An outbreak of swine diarrhea of a new-type associated with coronavirus-like particles in Japan. *Nippon Juigaku Zasshi* 45:829–832.
10. Chae C, Kim O, Choi C, Min K, Cho WS, Kim J, Tai JH. 2000. Prevalence of porcine epidemic diarrhoea virus and transmissible gastroenteritis virus infection in Korean pigs. *Vet. Rec.* 147:606–608 20
11. Puranaveja S, Poolperm P, Lertwatcharasarakul P, Kesdaengsakonwut S, Boonsoongnern A, Urairong K, Kitikoon P, Choojai P, Kedkovid R, Teankum K, Thanawongnuwech R. 2009. Chinese-like strain of porcine epidemic diarrhea virus, Thailand. *Emerg. Infect. Dis.* 15:1112–1115.
12. Stevenson GW, Hoang H, Schwartz KJ, Burrough ER, Sun D, Madson D, Cooper VL, Pillatzki A, Gauger P, Schmitt BJ, Koster LG, Killian ML, Yoon KJ. 2013. Emergence of porcine epidemic diarrhea virus in the United States: clinical signs, lesions, and viral genomic sequences. *J. Vet. Diagn. Invest.* 25:649–654.
13. Kim SH, Kim IJ, Pyo HM, Tark DS, Song JY, Hyun BH. 2007. Multiplex real-time RT-PCR for the simultaneous detection and quantification of transmissible gastroenteritis virus and porcine epidemic diarrhea virus. *J. Virol. Methods* 146:172–177. 30
14. Hofmann M, Wyler R. 1988. Propagation of the virus of porcine epidemic diarrhea in cell culture. *J. Clin. Microbiol.* 26:2235–2239.
15. Marthaler D, Jiang Y, Otterson T, Goyal S, Rossow K, Collins J. 2013. Complete genome sequence of porcine epidemic diarrhea virus strain USA/Colorado/2013 from the United States. *Genome Announc.* 1(4):e00555-13.10.1128/genomeA.00555-13
16. Song D, Park B. 2012. Porcine epidemic diarrhoea virus: a comprehensive review of molecular epidemiology, diagnosis, and vaccines. *Virus Genes* 44:167–175.
17. Huang YW, Dickerman AW, Piñeyro P, Li L, Fang L, Kiehne R, Opriessnig T, Meng XJ. 2013. Origin, evolution, and genotyping of emergent porcine epidemic diarrhea virus strains in the United States. *mBio* 4(5):e00737-13. 40

18. Bi J, Zeng S, Xiao S, Chen H, Fang L. 2012. Complete genome sequence of porcine epidemic diarrhea virus strain AJ1102 isolated from a suckling piglet with acute diarrhea in China. *J. Virol.* 86:10910–10911.
19. Chen J, Wang C, Shi H, Qiu HJ, Liu S, Shi D, Zhang X, Feng L. 2011. Complete genome sequence of a Chinese virulent porcine epidemic diarrhea virus strain. *J. Virol.* 85:11538–11539.
20. Chen J, Liu X, Shi D, Shi H, Zhang X, Feng L. 2012. Complete genome sequence of a porcine epidemic diarrhea virus variant. *J. Virol.* 86:3408.10.1128/JVI.07150-11
21. Fan H, Zhang J, Ye Y, Tong T, Xie K, Liao M. 2012. Complete genome sequence of a novel porcine epidemic diarrhea virus in south China. *J. Virol.* 86:10248–10249. 10
22. Gao Y, Kou Q, Ge X, Zhou L, Guo X, Yang H. 2013. Phylogenetic analysis of porcine epidemic diarrhea virus field strains prevailing recently in China. *Arch. Virol.* 158:711–715.
23. Li B, Liu H, He K, Guo R, Ni Y, Du L, Wen L, Zhang X, Yu Z, Zhou J, Mao A, Lv L, Hu Y, Yu Y, Zhu H, Wang X. 2013. Complete genome sequence of a recombinant porcine epidemic diarrhea virus strain from eastern China. *Genome Announc.* 1(2):e00105-13.10.1128/genomeA.00105-13
24. Luo Y, Zhang J, Deng X, Ye Y, Liao M, Fan H. 2012. Complete genome sequence of a highly prevalent isolate of porcine epidemic diarrhea virus in south China. *J. Virol.* 86:9551–9551.
25. Wang XM, Niu BB, Yan H, Gao DS, Huo JY, Chen L, Chang HT, Wang CQ, Zhao J. 2013. Complete genome sequence of a variant porcine epidemic diarrhea virus strain isolated in central China. *Genome Announc.* 1(1):e00243-12.10.1128/genomeA.00243-12 20
26. Wei ZY, Lu WH, Li ZL, Mo JY, Zeng XD, Zeng ZL, Sun BL, Chen F, Xie QM, Bee YZ, Ma J-Y. 2012. Complete genome sequence of novel porcine epidemic diarrhea virus strain GD-1 in China. *J. Virol.* 86:13824–13825.
27. Zhao M, Sun Z, Zhang Y, Wang G, Wang H, Yang F, Tian F, Jiang S. 2012. Complete genome sequence of a Vero cell-adapted isolate of porcine epidemic diarrhea virus in eastern China. *J. Virol.* 86:13858–13859.
28. S.H. Chang, J.L. Bae, T.J. Kang, J. Kim, G.H. Chung, C.W. Lim, H. Laude, M.S. Yang, Y.S. Jang. 2002. Identification of the epitope region capable of inducing neutralizing antibodies against the porcine epidemic diarrhea virus. *Mol. Cells* 14, 295 – 299. 30
29. D.J. Cruz, C.J. Kim, H.J. Shin. 2008. The GPRLQPY motif (SEQ ID NO: 20) located at the carboxy-terminal of the spike protein induces antibodies that neutralize Porcine epidemic diarrhea virus. *Virus Res.* 132, 192 – 196.
30. M. Godet, J. Grosclaude, B. Delmas, H. Laude. 1994. Major receptor-binding and neutralization determinants are located within the same domain of the transmissible gastroenteritis virus (coronavirus) spike protein. *J. Virol.* 68, 8008 – 8016.
31. M.W. Jackwood, D.A. Hilt, S.A. Callison, C.W. Lee, H. Plaza, E. Wade. 2001. Spike glycoprotein cleavage recognition site analysis of infectious bronchitis virus. *Avian Dis.* 45, 366 – 372. 40

32. L.S. Sturman, K.V. Holmes. 1984 Proteolytic cleavage of peplomeric glycoprotein E2 of MHV yields two 90K subunits and activates cell fusion. *Adv. Exp. Med. Biol.* **173**, 25 – 35.
33. D. Sun, L. Feng, H. Shi, J. Chen, X. Cui, H. Chen, S. Liu, Y. Tong, Y. Wang, G. Tong. 2008. Identification of two novel B cell epitopes on porcine epidemic diarrhea virus spike protein. *Vet. Microbiol.* **131**, 73 – 81.
34. S.J. Park, H.J. Moon, J.S. Yang, C.S. Lee, D.S. Song, B.K. Kang, B.K. Park. 2007. Sequence analysis of the partial spike glycoprotein gene of porcine epidemic diarrhea viruses isolated in Korea. *Virus Genes* **35**, 321–332.
35. L.J. Saif. 1993. Coronavirus immunogens. *Vet. Microbiol.* 285–297. 10
36. S.J. Park, H.K. Kim, D.S. Song, H.J. Moon, B.K. Park. 2011 Molecular characterization and phylogenetic analysis of porcine epidemic diarrhea virus (PEDV) field isolates in Korea. *Arch. Virol.* **156**, 577–585.
37. D.S. Song, J.S. Yang, J.S. Oh, J.H. Han, B.K. Park. Differentiation of a Vero cell adapted porcine epidemic diarrhea virus from Korean field strains by restriction fragment length polymorphism analysis of ORF 3. 2003. *Vaccine* **21**, 1833–1842.
38. D.S. Song, J.S., B.K. Park. 2012 Porcine epidemic diarrhoea virus: a comprehensive review of molecular epidemiology, diagnosis, and vaccines. *Virus Genes* **44**, 167-175.
39. J.F. Chen, D.B. Sun, C.B. Wang, H.Y. Shi, X.C. Cui, S.W. Liu, H.J. Qiu, L. Feng. 2008. Molecular characterization and phylogenetic analysis of membrane protein genes of porcine epidemic diarrhea virus isolates in China. *Virus Genes* **36**, 355–364. 20
40. L. Yuan, S.Y. Kang, L.A. Ward, T.L. To, L.J. Saif. 1998 Antibody-secreting cell responses and protective immunity assessed in gnotobiotic pigs inoculated orally or intramuscularly with inactivated human rotavirus. *J. Virol.* **72**, 330–338.
41. C.H. Kweon, B.J. Kwon, J.G. Lee, G.O. Kwon, Y.B. Kang. 1999. Derivation of attenuated porcine epidemic diarrhea virus (PEDV) as vaccine candidate. *Vaccine* **17**, 2546–2553.
42. Y. Usami, O. Yamaguchi, K. Kumanomido, Y. Matsumura. 1998. Antibody response of pregnant sows to porcine epidemic diarrhea virus live vaccine and maternally-derived antibodies of the piglets. *J. Jpn. Vet. Med. Assoc.* **51**, 652–655. 30
43. L.A. Ward, L. Yuan, B.I. Rosen, T.L. To, L.J. Saif. 1996. Development of mucosal and systemic lymphoproliferative responses and protective immunity to human group A rotaviruses in a gnotobiotic pig model. *Clin. Diagn. Lab. Immunol.* **3**, 342–350.
44. A. Pijpers, A.P. van Nieuwstadt, C. Terpstra, J.H. Verheijden. 1993. Porcine epidemic diarrhoea virus as a cause of persistent diarrhoea in a herd of breeding and finishing pigs. *Vet. Rec.* **132**, 129–131.
45. T. Sato, Takeyama, N., Katsumata, A., Tuchiya, K., Kodama, T., Kusanagi, K. 2011. Mutations in the spike gene of porcine epidemic diarrhea virus associated with growth adaptation in vitro and attenuation of virulence in vivo. *Virus Genes*, **43**, 1, 72.
46. Park, S.J., Kim, H.K., Song, D.S., An, D.J. and Park, B.K. 2012. Complete genome sequences of a Korean virulent porcine epidemic diarrhea virus and its attenuated counterpart J. *Virol.* **86** (10), 5964 . 40

- 10

【 図 1 - 2 】

FIG. 1 (cont'd)

[illegible]

【図 1 - 3】

FIG. 1 (cont'd)

AH2012 1843 TCGTATACAGACCTTGTATGGGAGTACTACCAAGTGGTTTCCAAGCGGTGAA 1902
125_10 1861 TGCCAAATGTGATCTGTGTGGTGTGAGGAGATGTGACCTTCAACACCTGTGTGTAT 1968
AH2012 1903 TGCCAAATGTGATCTGTGTGGTGTGAGGAGATGTGACCTTCAACACCTGTGTGTAT 1962
125_10 1601 AGTTGTGTGTGAGGACCTTGCATCTTCGAGATGAGGGGTTTACAGACATCTTGCTGA 1980
AH2012 1903 AGTTGTGTGTGAGGACCTTGCATCTTCGAGATGAGGGGTTTACAGACATCTTGCTGA 2022
125_10 1981 TGTGAGGTGTGATGATGACATCTCTTTATAGTCTGCTTGTGAGCTCAAGCGAGTTT 2040
AH2012 2023 TGTGAGGTGTGATGATGACATCTCTTTATAGTCTGCTTGTGAGCTCAAGCGAGTTT 2082
125_10 2041 TGATGTGACCAATCACTGATTTTCTATGCTCTGTGGCCGCTAGTGTGTGAGAGCTTTG 2108
AH2012 2083 TGATGTGATCCAACTAGTTTTCTATGCTCTGTGGCCGCTAGTGTGTGAGAGCTTTG 2142
125_10 2101 TGTGCAAACTGATCTGTGCTTAAATATACAACTCTCTATAAACTACAGCTGCTGT 2160
AH2012 2143 TGTGCAAACTGATCTGTGCTTAAATATACAACTCTCTATAAACTACAGCTGCTGT 2202
125_10 2161 TGTGAGAGGTGATTAAGTGTGTATCACTTGCACCTTACATTTACAGACCAAGATATAT 2228
AH2012 2203 TGTGAGAGGTGATTAAGTGTGTATCACTTGCACCTTACATTTACAGACCAAGATATAT 2262
125_10 2221 GGAGGATGCTGCTAAATTTGTATGACCTTGTACCAAGAACATTTGATGCTGCTTTTCA 2280
AH2012 2263 GGAGGATGCTGCTAAATTTGTATGACCTTGTACCAAGAACATTTGATGCTGCTTTTCA 2322
125_10 2281 TGAATTTTACATTTACGCGCCATGACCAAGAGATCTGCAAGAGTGTGTATCAACCTTGTGT 2340
AH2012 2323 TGAATTTTACATTTACGCGCCATGACCAAGAGATCTGCAAGAGTGTGTATCAACCTTGTGT 2382
125_10 2341 CAGATGTGAGGTTTGAAGTGTGTTATGCTATATCCCAAGATGTGTGAGAGTGTGTGA 2400
AH2012 2383 CAGATGTGAGGTTTGAAGTGTGTTATGCTATATCCCAAGATGTGTGAGAGTGTGTGA 2442
125_10 2401 AGAGATGATGTGTGTAGCATCTGGGGTCTTTATCACTGGCTTTATACAAATGTGTGGA 2460
AH2012 2443 AGAGATGATGTGTGTAGCATCTGGGGTCTTTATCACTGGCTTTATACAAATGTGTGGA 2502
125_10 2461 TTTTTCAGAGCATCTTAAGTCAAGCTTTGAGATGATGAGCATTTGTCTACTGTAGCAGC 2520
AH2012 2503 TTTTTCAGAGCATCTTAAGTCAAGCTTTGAGATGATGAGCATTTGTCTACTGTAGCAGC 2562
125_10 2521 CAATTTAAGAGCATTTGGTGTCTTCTGGCAAGATGTATAGAGTCTTGTGTGTGTGTGT 2580
AH2012 2563 CAATTTAAGAGCATTTGGTGTCTTCTGGCAAGATGTATAGAGTCTTGTGTGTGTGTGT 2622
125_10 2581 GGTTGAGAACTTGT 2640
AH2012 2623 GGTTGAGAACTTGT 2682
125_10 2641 AATTTGT 2700
AH2012 2683 AATTTGT 2742
125_10 2701 TCTGTGTGAGGAGGCTGTGAGAGTTAAGTCTTCTTAACTGTGTGTGTGTGTGTGTGT 2760
AH2012 2743 TCTGTGTGAGGAGGCTGTGAGAGTTAAGTCTTCTTAACTGTGTGTGTGTGTGTGTGT 2802

【図 1 - 5】

FIG. 1 (cont'd)

AH2012 3703 GGGT 3762
125_10 3718 CTGTTGT 3777
AH2012 3763 CTGTTGT 3822
125_10 3778 TATGAGGCAACTTTGAGACGCTTCCATATGCTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT 3837
AH2012 3823 TATGAGGCAACTTTGAGACGCTTCCATATGCTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT 3882
125_10 3838 GATGACACATTTTAAAGTATGTGTGAGCGGACATCTTTGTGAGAGATCTATGCTGTGT 3897
AH2012 3883 GATGACACATTTTAAAGTATGTGTGAGCGGACATCTTTGTGAGAGATCTATGCTGTGT 3942
125_10 3898 CTCTTGTGATCTTTGGTGTGTAAACCTTGTGTGGGCTGTGTGTAAAGGCAAGATAG 3957
AH2012 3943 CTCTTGTGATCTTTGGTGTGTAAACCTTGTGTGGGCTGTGTGTAAAGGCAAGATAG 4002
125_10 3958 TGTCTAATGTGTCTACTAATTTTATATGCTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT 4017
AH2012 4003 TGTCTAATGTGTCTACTAATTTTATATGCTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT 4062
125_10 4018 TCAGATTAAGTATGACACATGACACATTTGTGTGTAAAGCATGTAAATGAGCAGCC 4077
AH2012 4063 TCAGATTAAGTATGACACATGACACATTTGTGTGTAAAGCATGTAAATGAGCAGCC 4122
125_10 4078 TTTTGTCCGAGAGTGTGAGCTGTATGAGGCTGTGTGTGAACTTTCTATTCTATATA 4137
AH2012 4123 TTTTGTCCGAGAGTGTGAGCTGTATGAGGCTGTGTGTGAACTTTCTATTCTATATA 4182
125_10 4138 GATGT 4197
AH2012 4183 GATGT 4242
125_10 4198 TGTATAGTGTGAGATGT 4257
AH2012 4243 TGTATAGTGTGAGATGT 4302
125_10 4258 TTTATCAAGGGCATGTGTGAGAGATGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT 4317
AH2012 4303 TTTATCAAGGGCATGTGTGAGAGATGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT 4362
125_10 4318 TAAAGTTGAGAGT 4377
AH2012 4363 TAAAGTTGAGAGT 4422
125_10 4378 TCCAGTAAAGGATGAGATGACATGACCTTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT 4437
AH2012 4423 TCCAGTAAAGGATGAGATGACATGACCTTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT 4482
125_10 4438 TAATTCAGGT 4497
AH2012 4483 TAATTCAGGT 4542
125_10 4498 AGAATCTTATCTGT 4557
AH2012 4543 AGAATCTTATCTGT 4602
125_10 4558 TAGTGTGAGAGGCTGTGAGAGTATTAAGTCTTCTTAACTGTGTGTGTGTGTGTGTGT 4617

【図 1 - 4】

FIG. 1 (cont'd)

125_10 2761 ACCACGTGTGATTAAGCTTCTTTTGTGAGATTAGAGAGACGACATTTAAACACACG 2820
AH2012 2803 ACCACGTGTGATTAAGCTTCTTTTGTGAGATTAGAGAGACGACATTTAAACACACG 2862
125_10 2821 ACTCAAGTGTGATTTGCTATGATGAGGCTTGTGCTTTCTATATGATGAGACACTATA 2880
AH2012 2863 ACTCAAGTGTGATTTGCTATGATGAGGCTTGTGCTTTCTATATGATGAGACACTATA 2922
125_10 2881 CTATCCACCGATGATTAAGCTTCTTTCTATCTGCTTTAAGAGAGAGAGTGTGTGTGA 2940
AH2012 2963 CTATCCACCGATGATTAAGCTTCTTTCTATCTGCTTTAAGAGAGAGAGTGTGTGTGA 2982
125_10 2941 TGTCAAAATCTTCTGATGAGATCTCTGTAAACACCTTGTGAGGCTTGTATAGGCTCTCC 3000
AH2012 2983 TGTCAAAATCTTCTGATGAGATCTCTGTAAACACCTTGTGAGGCTTGTATAGGCTCTCC 3042
125_10 3001 TGAATTTGAGTGTGAGTCTGAGACTATTATGCTGTGCTTAATAGGCTGTGTGTAAATG 3060
AH2012 3043 TGAATTTGAGTGTGAGTCTGAGACTATTATGCTGTGCTTAATAGGCTGTGTGTAAATG 3102
125_10 3061 TATCAAGTGTGAGTGTGAGGATGATGTTGTGATATATCAATGTGCTTGTGAGTGT 3120
AH2012 3103 TATCAAGTGTGAGTGTGAGGATGATGTTGTGATATATCAATGTGCTTGTGAGTGT 3162
125_10 3121 TCTTAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 3180
AH2012 3163 TCTTAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 3222
125_10 3181 TCTTAAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGT 3240
AH2012 3223 TCTTAAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGT 3282
125_10 3241 TCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 3300
AH2012 3283 TCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 3342
125_10 3301 CTCTCTGAGCCGTGATGAGTGTGAGGATGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGT 3360
AH2012 3343 CTCTCTGAGCCGTGATGAGTGTGAGGATGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGT 3400
125_10 3361 TAAATGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGT 3420
AH2012 3403 TAAATGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGT 3462
125_10 3421 CTCTTA--AAGATCACTCTTCCAGATGATGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGT 3477
AH2012 3463 TTTTATTAAGATCACTCTTCCAGATGATGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGT 3522
125_10 3478 CTATGAGGATGATGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAG 3537
AH2012 3523 CTATGAGGATGATGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAG 3582
125_10 3538 GGTGAGGATGATGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGT 3597
AH2012 3583 GGTGAGGATGATGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGT 3642
125_10 3598 TAGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAG 3657
AH2012 3643 TAGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAG 3702
125_10 3658 GGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAG 3717

【図 1 - 6】

FIG. 1 (cont'd)

AH2012 4003 TAGTGACAAAGGCGGAGGCGATCAATTAATCATGAGTGTGTTGTGATGCTATTTT 4062
125_10 4018 CAAGATGACATTTGTGTACTTCTTCCAGGAGAGTGTGTTCAAGAGTTTACAAAA 4077
AH2012 4063 CAAGATGACATTTGTGTACTTCTTCCAGGAGAGTGTGTTCAAGAGTTTACAAAA 4122
125_10 4078 ACCAGTTTGTGCTAATTTTGAACCTTTCAAGATGAGGAGTGTGTTCTATGAGTGT 4137
AH2012 4123 ACCAGTTTGTGCTAATTTTGAACCTTTCAAGATGAGGAGTGTGTTCTATGAGTGT 4182
125_10 4138 CAACCTGAGAGTTTGTGTGATGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGT 4197
AH2012 4183 CAACCTGAGAGTTTGTGTGATGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGT 4242
125_10 4198 TTTGATTTTGTAGGCTTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAG 4257
AH2012 4243 TTTGATTTTGTAGGCTTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAG 4302
125_10 4258 TTTGATTTTGTAGGCTTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAG 4317
AH2012 4303 TTTGATTTTGTAGGCTTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAG 4362
125_10 4318 TTTGATTTTGTAGGCTTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAG 4377
AH2012 4363 TTTGATTTTGTAGGCTTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAG 4422
125_10 4378 TTTGATTTTGTAGGCTTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAG 4437
AH2012 4423 TTTGATTTTGTAGGCTTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAG 4482
125_10 4438 TTTGATTTTGTAGGCTTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAG 4497
AH2012 4483 TTTGATTTTGTAGGCTTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAG 4542
125_10 4498 TTTGATTTTGTAGGCTTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAG 4557
AH2012 4543 TTTGATTTTGTAGGCTTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAG 4602
125_10 4558 TTTGATTTTGTAGGCTTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAG 4617

【図 1 - 7】

FIG. 1 (cont'd)

125_10 5518 TTGTACTGGTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 5577
 AH2012 5563 TTGTACTGGTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 5622
 125_10 5578 AGGTCAAGCTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 5637
 AH2012 5623 AGGTCAAGCTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 5682
 125_10 5638 TGGTCTGTTGCTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 5697
 AH2012 5683 TGGTCTGTTGCTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 5742
 125_10 5698 CAGTCAAGCTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 5757
 AH2012 5743 CAGTCAAGCTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 5802
 125_10 5758 ACATGGCTTAACTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 5817
 AH2012 5803 ACATGGCTTAACTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 5862
 125_10 5818 TGGTCAAGCTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 5877
 AH2012 5863 TGGTCAAGCTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 5922
 125_10 5878 ATTCCTAGATATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 5937
 AH2012 5863 ATTCCTAGATATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 5982
 125_10 5938 TATGGTCAATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 5997
 AH2012 5983 TATGGTCAATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6042
 125_10 5998 TGTGTGCTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6057
 AH2012 6043 TGTGTGCTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6092
 125_10 6058 AGAGCTCAAGCTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6117
 AH2012 6103 AGAGCTCAAGCTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6162
 125_10 6118 TGGTCAATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6177
 AH2012 6163 TGGTCAATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6222
 125_10 6178 CTGTTTAAAGGCTTGTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6237
 AH2012 6223 CTGTTTAAAGGCTTGTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6282
 125_10 6238 TGGTCAATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6297
 AH2012 6283 TGGTCAATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6342
 125_10 6298 GCTAAAGCTTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6357
 AH2012 6343 GCTAAAGCTTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6402
 125_10 6358 TGGTCAATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6417
 AH2012 6403 TGGTCAATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6462
 125_10 6418 TGGTCAATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6477

【図 1 - 9】

FIG. 1 (cont'd)

125_10 7378 CAAGAGCTTGTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7437
 AH2012 7423 CAAGAGCTTGTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7482
 125_10 7438 TGTACATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7497
 AH2012 7483 TGTACATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7542
 125_10 7498 GATGACATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7557
 AH2012 7543 GATGACATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7602
 125_10 7558 GGTGACATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7617
 AH2012 7603 GGTGACATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7662
 125_10 7618 TGTCAAGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7677
 AH2012 7663 TGTCAAGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7722
 125_10 7678 AACTAGGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7737
 AH2012 7723 AACTAGGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7782
 125_10 7738 TATGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7797
 AH2012 7783 TATGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7842
 125_10 7798 AGGTCTCTGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7857
 AH2012 7843 AGGTCTCTGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7902
 125_10 7858 TGTGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7917
 AH2012 7903 TGTGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7962
 125_10 7918 TATGACATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7977
 AH2012 7963 TATGACATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8022
 125_10 7978 TGTGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8037
 AH2012 8023 TGTGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8082
 125_10 8038 GGTGACATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8097
 AH2012 8083 GGTGACATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8142
 125_10 8098 AGGTATCCGAGGCTTGTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8157
 AH2012 8143 AGGTATCCGAGGCTTGTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8202
 125_10 8158 TTTTGGATCATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8217
 AH2012 8203 TTTTGGATCATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8262
 125_10 8218 TTTTAAATGGCTTGGATCATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8277
 AH2012 8263 TTTTAAATGGCTTGGATCATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8322

【図 1 - 8】

FIG. 1 (cont'd)

AH2012 6463 TTTTAAATGGCTTGGATCATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6522
 125_10 6478 TATGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6537
 AH2012 6523 TATGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6582
 125_10 6538 GCAACAGCTTGAAGGCTTGTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6597
 AH2012 6583 GCAACAGCTTGAAGGCTTGTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6642
 125_10 6598 GCAATTTTGGGCTTGTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6657
 AH2012 6643 GCAATTTTGGGCTTGTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6702
 125_10 6658 TATCATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6717
 AH2012 6703 TATCATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6762
 125_10 6718 TTTTAAATGGCTTGGATCATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6777
 AH2012 6763 TTTTAAATGGCTTGGATCATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6822
 125_10 6778 CCTAAGATGTTTGTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6837
 AH2012 6823 CCTAAGATGTTTGTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6882
 125_10 6838 TGGCTTAAAGGCTTGTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6897
 AH2012 6883 TGGCTTAAAGGCTTGTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6942
 125_10 6898 ACATGCAATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 6957
 AH2012 6943 ACATGCAATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7002
 125_10 6958 TTTTAAATGGCTTGGATCATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7017
 AH2012 7003 TTTTAAATGGCTTGGATCATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7062
 125_10 7018 TGTCAAGCTTGAAGGCTTGTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7077
 AH2012 7063 TGTCAAGCTTGAAGGCTTGTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7122
 125_10 7078 GATGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7137
 AH2012 7123 GATGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7182
 125_10 7138 AACAGATGAAGGCTTGTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7197
 AH2012 7183 AACAGATGAAGGCTTGTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7242
 125_10 7198 TATGTTTGTGCACTGTTGTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7257
 AH2012 7243 TATGTTTGTGCACTGTTGTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7298
 125_10 7258 TTTCAAGCTTGTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7317
 AH2012 7298 TTTCAAGCTTGTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7362
 125_10 7318 TGTGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7377
 AH2012 7363 TGTGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 7422

【図 1 - 10】

FIG. 1 (cont'd)

125_10 8278 GAATGCTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8337
 AH2012 8323 GAATGCTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8382
 125_10 8338 AATGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8397
 AH2012 8383 AATGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8442
 125_10 8398 TATGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8457
 AH2012 8443 TATGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8502
 125_10 8458 AGGTGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8517
 AH2012 8503 AGGTGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8562
 125_10 8518 TGTGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8577
 AH2012 8563 TGTGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8622
 125_10 8578 AGTACAGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8637
 AH2012 8623 AGTACAGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8682
 125_10 8638 TGTGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8697
 AH2012 8683 TGTGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8742
 125_10 8698 GGTGTTTGTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8757
 AH2012 8743 GGTGTTTGTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8802
 125_10 8758 CACATGCTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8817
 AH2012 8803 CACATGCTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8862
 125_10 8818 TATGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8877
 AH2012 8863 TATGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8922
 125_10 8878 TTTGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8937
 AH2012 8923 TTTGATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8982
 125_10 8938 GGTGTTTGTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 8997
 AH2012 8983 GGTGTTTGTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 9042
 125_10 8998 AGGTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 9057
 AH2012 9043 AGGTATGTTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 9102
 125_10 9058 AAATGCTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 9117
 AH2012 9103 AAATGCTGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 9162
 125_10 9118 AGAGGCTGATGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 9177
 AH2012 9163 AGAGGCTGATGCTATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 9222
 125_10 9178 TTTTAAATGGCTTGGATCATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 9237
 AH2012 9223 TTTTAAATGGCTTGGATCATGTTTGTGCACTGTTGTACAGGCTTGGCTTGGCTGTGTGACAA 9282

【 図 1 - 1 2 】

FIG. 1 (cont'd)

AK215	125.10	125.10	GACTTCTCTTTGGTCAGATAAGTCTCTACACATGAGTCTTGCGTAATCTGGTGA	1822
AK215	125.43	125.43	TGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1823
AK215	125.58	125.58	TGTCACACATGATTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1824
AK215	125.95	125.95	TGTCACACATGATTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1825
AK215	125.138	125.138	CAGTAAGGACATGTTTTCGAGGCTCTCTACATACGCTGCTGATTAAGTACTTCGAT	1826
AK215	125.163	125.163	GAGTAAGGACATGTTTTCGAGGCTCTCTACATACGCTGCTGATTAAGTACTTCGAT	1827
AK215	125.373	125.373	TAGTTTGGCATTTGATGTTGGAGTGCACAACTATTTGGGAGAGCATTTTGATTAACG	1828
AK215	125.627	125.627	TATTTTGGCATTTGATGTTGGAGTGCACAACTATTTGGGAGAGCATTTTGATTAACG	1829
AK215	125.638	125.638	TTTCTACATGATTTTTCGAGGCTCTCTACATACGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1830
AK215	125.683	125.683	GAGTAAGGACATGTTTTCGAGGCTCTCTACATACGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1831
AK215	125.698	125.698	CATTTCACGGGACATACACATGCGGCTTTTACACACACTGTGCTGCTGCTGCTGCTA	1832
AK215	125.843	125.843	CATTTCACGGGACATACACATGCGGCTTTTACACACACTGTGCTGCTGCTGCTGCTA	1833
AK215	125.858	125.858	TGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1834
AK215	125.869	125.869	TGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1835
AK215	125.1363	125.1363	TGCTATACACATTTCTGCTAGTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTA	1836
AK215	125.1365	125.1365	TGCTATACACATTTCTGCTAGTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTA	1837
AK215	125.1370	125.1370	GAGTGTGATTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1838
AK215	125.1373	125.1373	GAGTGTGATTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1839
AK215	125.1375	125.1375	TGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1840
AK215	125.1378	125.1378	TGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1841
AK215	125.1383	125.1383	TGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1842
AK215	125.1385	125.1385	TGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1843
AK215	125.1391	125.1391	TGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1844
AK215	125.1393	125.1393	ACTATCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1845
AK215	125.1395	125.1395	ACTATCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1846
AK215	125.1397	125.1397	CTGTCAGTCAACAGCTGATTAAGTGTACAGTACGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1847
AK215	125.1403	125.1403	CTGTCAGTCAACAGCTGATTAAGTGTACAGTACGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1848
AK215	125.1408	125.1408	TACGATGATGCTCAGCAAAATCAAGAGATGGGCTGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1849
AK215	125.1413	125.1413	TACGATGATGCTCAGCAAAATCAAGAGATGGGCTGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1850

【 図 1 - 1 4 】

FIG. 1 (cont'd)

[illegible]

【 図 1 - 1 6 】

FIG. 1 (cont'd)

125_13	12598	AGCATTTTAAAGTAGAGGCTGTGTGAGGAGCTCTCAATTAAGAGCTGGTTT	13617
AH2012	13083	ACCATTTTAAAGTAGAGGCTGTGTGAGGAGCTCTCAATTAAGAGCTGGTTT	13617
125_13	13081	GACCCCTGTGAAATGAAGACATTCATGTGTCTATGATGATAGGACCATTTTCA	13122
AH2012	13063	GACCCCTGTGAAATGAAGACATTCATGTGTCTATGATGATAGGACCATTTTCA	13122
125_13	13078	CGCTCATCTTAAAGCTGATGCTCTGTGATGAGAGTGTGAACAGAAATATGGT	13137
AH2012	13123	CGCTCATCTTAAAGCTGATGCTCTGTGATGAGAGTGTGAACAGAAATATGGT	13137
125_13	13138	GTGTGCATATAGATTCAGGACCTTAAGTGATGTTTATGATTTGGTATGTTTAC	13182
AH2012	13183	GTGTGCATATAGATTCAGGACCTTAAGTGATGTTTATGATTTGGTATGTTTAC	13182
125_13	13158	GTATGACACAGGAAGGGTATGATGATATTCACATCATATACCTTCTATATGATGCC	13257
AH2012	13243	GTATGACACAGGAAGGGTATGATGATATTCACATCATATACCTTCTATATGATGCC	13257
125_13	13258	GTATGGGTATGACTATATGCTCTGCTAGGAGTGTTTGTAGAGATGATATATGGT	13372
AH2012	13303	GTATGGGTATGACTATATGCTCTGCTAGGAGTGTTTGTAGAGATGATATATGGT	13372
125_13	13318	GAGGATTTCAAGTATCATGCTGCTGGGATAGTTTACAGGAGGATAGAGACAGCT	13377
AH2012	13363	GAGGATTTCAAGTATCATGCTGCTGGGATAGTTTACAGGAGGATAGAGACAGCT	13377
125_13	13378	TTCACCAAGTATTCGAGTATGCGGACATCAACACCTAACGTGTGCGACATG	13427
AH2012	13423	TTCACCAAGTATTCGAGTATGCGGACATCAACACCTAACGTGTGCGACATG	13427
125_13	13438	GATGACGATCGATGATACCTGACGACATTCAGATCGTTGTTCCACATCTATACC	13452
AH2012	13483	GATGACGATCGATGATACCTGACGACATTCAGATCGTTGTTCCACATCTATACC	13452
125_13	13498	ATTACGGCAATTGGACCTTGTGTCGCAAGTGTGGATATGATGGTTCCACTGCTAC	13557
AH2012	13543	ATTACGGCAATTGGACCTTGTGTCGCAAGTGTGGATATGATGGTTCCACTGCTAC	13557
125_13	13558	ACAGCTGGTTATCATTTAAAGATAGGATGATTTGGACATGACCTCAACTACAC	13622
AH2012	13603	ACAGCTGGTTATCATTTAAAGATAGGATGATTTGGACATGACCTCAACTACAC	13622
125_13	13618	CTATGAGGCTCTCTATAGAGATATCTCAAGTATATGATGATCTCGCATATATAC	13722
AH2012	13663	CTATGAGGCTCTCTATAGAGATATCTCAAGTATATGATGATCTCGCATATATAC	13722
125_13	13678	GCATCATCACCAGCCTTGTTGATCAGGATGCTGTTCTTTCGTTGATTCAGGCTAGG	13737
AH2012	13723	GCATCATCACCAGCCTTGTTGATCAGGATGCTGTTCTTTCGTTGATTCAGGCTAGG	13737
125_13	13738	ACAGTATGACCTACACAGCTATGTAACCTGGGCAATCTAAAGAGGATTTATGCTC	13797
AH2012	13783	ACAGTATGACCTACACAGCTATGTAACCTGGGCAATCTAAAGAGGATTTATGCTC	13797
125_13	13798	TTCATGTAGCAAGGATTTCTTTCTGAGGAGCTCTGAGCATCTATGAGGATCTTCTT	13842
AH2012	13843	TTCATGTAGCAAGGATTTCTTTCTGAGGAGCTCTGAGCATCTATGAGGATCTTCTT	13842
125_13	13858	GCACAGAGGAGTATGACAGTATGTAAGGATTTGATCATAGGATATATATAGACCTAT	13917
AH2012	13903	GCACAGAGGAGTATGACAGTATGTAAGGATTTGATCATAGGATATATATAGACCTAT	13917

		FIG. 1 (cont'd)			
125_10	13918	GTCTTGCAATCTTGCACAGCTGGCGTGTCTCAATATGAGGAGCAAGCACTTATTGATT		13972	
HN012	13963	GTCTTGCAATCTTGCACAGCTGGCGTGTCTCAATATGAGGAGCAAGCACTTATTGATT		14022	
125_10	13918	TACGAGAGCTGTTGTATCTACTCTGAAGAAGCTGGTGTGTACAAACTTAAACAAGGCA		14083	
HN012	14023	TACGAGAGCTGTTGTATCTACTCTGAAGAAGCTGGTGTGTACAAACTTAAACAAGGCA		14143	
125_10	14018	GGTTATCTCTTGGACAAATTTGGTAAGAGCTGGTCTTACTATGAGTCTTATCTATAGAG		14143	
HN012	14085	GGTTATCTCTTGGACAAATTTGGTAAGAGCTGGTCTTACTATGAGTCTTATCTATAGAG		14203	
125_10	14098	GACGAGATGACCTTATGCTTATCTATAGAGTGACATCTGGCCACCATCATGAGGATGAC		14263	
HN012	14143	GACGAGATGACCTTATGCTTATCTATAGAGTGACATCTGGCCACCATCATGAGGATGAC		14323	
125_10	14158	AACTTAATATGCTATATAGTGGCAAGAGCTGCAGCAGATGGGTGGTGTTCCTT		14383	
HN012	14203	AACTTAATATGCTATATAGTGGCAAGAGCTGCAGCAGATGGGTGGTGTTCCTT		14443	
125_10	14218	TGTCAKCATGACTCATCCGAGTATCATCAGAAKCAACTTAATCATGATGATATCAT		14503	
HN012	14263	TGTCAKCATGACTCATCCGAGTATCATCAGAAKCAACTTAATCATGATGATATCAT		14563	
125_10	14278	AGGGCGCTCTCGGTTGTATTGCTACTATAGTTTATAGTGGTGGGACATATGCT		14623	
HN012	14323	AGGGCGCTCTCGGTTGTATTGCTACTATAGTTTATAGTGGTGGGACATATGCT		14683	
125_10	14318	AGAACTATATGATGGTGTGAAATCGTGCTATATGGGTGGGACATCCCAAAGTGG		14743	
HN012	14383	AGAACTATATGATGGTGTGAAATCGTGCTATATGGGTGGGACATCCCAAAGTGG		14803	
125_10	14398	GACGAGCAGCTGCCCAATCATCTGATCTTACGCGAAGATTTAAGGCTCATAGAGC		14863	
HN012	14443	GACGAGCAGCTGCCCAATCATCTGATCTTACGCGAAGATTTAAGGCTCATAGAGC		14923	
125_10	14608	ACCATCATGCGATCTCACTGAGCGCTTTTCAAGTGTGGCAATGAGTGGCCAGCTG		14983	
HN012	14503	ACCATCATGCGATCTCACTGAGCGCTTTTCAAGTGTGGCAATGAGTGGCCAGCTG		15043	
125_10	14618	CTTATCGAGTGTATTATCTATATGAGGATGTTTTATGAGCAGGTGGTACTACCTT		15103	
HN012	14563	CTTATCGAGTGTATTATCTATATGAGGATGTTTTATGAGCAGGTGGTACTACCTT		15163	
125_10	14578	GGGTGTCACCAACCGCATGACAACTCAAGTTTAAATATCTTCCAGAGCATGATGGC		15223	
HN012	14623	GGGTGTCACCAACCGCATGACAACTCAAGTTTAAATATCTTCCAGAGCATGATGGC		15283	
125_10	14618	ATAGCTTAAGCAACTTTTAGTGTGGACAGCATATCTTATAGATTTAGAGATTAAGCA		15343	
HN012	14683	ATAGCTTAAGCAACTTTTAGTGTGGACAGCATATCTTATAGATTTAGAGATTAAGCA		15403	
125_10	14698	TTCGACGTAAGCTTATATGAGTGGTGTATAGATCACTACCTCGATGACCAAGTTGCT		15463	
HN012	14743	TTCGACGTAAGCTTATATGAGTGGTGTATAGATCACTACCTCGATGACCAAGTTGCT		15523	
125_10	14758	TGTGATATATGGTGTATGGGTAAATATTTTCAATATGATGATCTTCTTGATGATGG		15583	
HN012	14803	TGTGATATATGGTGTATGGGTAAATATTTTCAATATGATGATCTTCTTGATGATGG		15643	

【 図 1 - 1 8 】

[illegible]

FIG. 1 (cont'd)

125_30	15778	TTGTCACCACTACATGAGTTGTAGAGCAATAAAGGTTGTGTCCTCAATGGGAATGGCG	15833
AH2012	15823	TTGTCACCACTACATGATGTTAGAGCAATAAAGGTTGTGTCCTCAATGGGAATGGCG	15888
125_30	15818	AGACCAACCAACCCCTTATAGAAGTATGTTTCACTTGTATCTATACATGACGAAGAC	15883
AH2012	15883	AGACCAACCAACCCCTTATAGAAGTATGTTTCACTTGTATCTATACATGACGAAGAC	15948
125_30	15898	ACCAAAATTCAAATGGGAGGTTGTGTGTGACGAGACGAGATATGATATGATGCTGTAT	15953
AH2012	15943	ACCAAAATTCAAATGGGAGGTTGTGTGTGACGAGACGAGATATGATATGATGCTGTAT	16008
125_30	15958	ACATATAAACTACGGCCACCAAAAATCTGTCTGCGATAGTGTGTGTGCTTACCTCAT	16013
AH2012	16003	ACATATAAACTACGGCCACCAAAAATCTGTCTGCGATAGTGTGTGTGCTTACCTCAT	16068
125_30	16018	CATATAGTTCAGCAATGCGCGACACGACATGCTATCAGAGAGATGTTTCTACCAT	16073
AH2012	16063	CATATAGTTCAGCAATGCGCGACACGACATGCTATCAGAGAGATGTTTCTACCAT	16118
125_30	16078	CATAGATGCTGCTGTTCTGACACATCATGAGCTATCTTCAAGTATGCTCCATCAT	16133
AH2012	16123	CATAGATGCTGCTGTTCTGACACATCATGAGCTATCTTCAAGTATGCTCCATCAT	16178
125_30	16138	CATATGATGTGTAGCAGAGAAGTTACACATATGCTGAGGCTGCTGGATGTGTAAATCT	16193
AH2012	16183	CATATGATGTGTAGCAGAGAAGTTACACATATGCTGAGGCTGCTGGATGTGTAAATCT	16238
125_30	16198	CAGCTGTGTATAGGGCTAGGTTGTGTACTATCAGGTGACGATATGTTGTTCACAGCTGT	16253
AH2012	16243	CAGCTGTGTATAGGGCTAGGTTGTGTACTATCAGGTGACGATATGTTGTTCACAGCTGT	16298
125_30	16258	TACATCGGCTGCTGATGATCCACTTGTGTGTGAAAGCTTCCAGCTGTATATGACATACAG	16313
AH2012	16303	TACATCGGCTGCTGATGATCCACTTGTGTGTGAAAGCTTCCAGCTGTATATGACATACAG	16358
125_30	16318	TGTCACGACATATACCAACGGGGCGTGTTGGAGTGTATGATGATGTTTCAAGCTTAAT	16373
AH2012	16363	TGTCACGACATATACCAACGGGGCGTGTTGGAGTGTATGATGATGTTTCAAGCTTAAT	16418
125_30	16378	AATCATGCTGCTGACATCTGTTTCTCTACATGCAAGTTTTCGACAGAGATCATGGGAC	16433
AH2012	16423	AATCATGCTGCTGACATCTGTTTCTCTACATGCAAGTTTTCGACAGAGATCATGGGAC	16478
125_30	16438	ATTGTGTGTGGTGGATGAGGTTCTATATGCACTAAATATGACTGTGTGTCTATAAATCAG	16453
AH2012	16483	ATTGTGTGTGGTGGATGAGGTTCTATATGCACTAAATATGACTGTGTGTCTATAAATCAG	16538
125_30	16498	GGCAGTCAATATAGCGATATGATGTATGTGTGTGACGATCTCAACAGCTGCGACCAAGAT	16513
AH2012	16543	GGCAGTCAATATAGCGATATGATGTATGTGTGTGACGATCTCAACAGCTGCGACCAAGAT	16608
125_30	16558	GTATGATTTCACTGTGACTTTGGAAACCAAGGACATACAGCTGTCACTACCGGATCAT	16623
AH2012	16603	GTATGATTTCACTGTGACTTTGGAAACCAAGGACATACAGCTGTCACTACCGGATCAT	16658
125_30	16618	TGTGCTGCTTAAGGCTGATGTTTCTTGTCACAGAGTTTATCCGCTGTCTGATGATGATG	16673
AH2012	16663	TGTGCTGCTTAAGGCTGATGTTTCTTGTCACAGAGTTTATCCGCTGTCTGATGATGATG	16718

【図 1 - 19】

FIG. 1 (cont'd)

125_10 16678 CGTACTGTGTCTGAGATGCTATGAACACMTTCCTCTGTGTGACCCAGATAGCAAG 16737
|||||
AH2012 16723 CGTACTGTGTCTGAGATGCTCTATGAACACMTTCCTCTGTGTGACCCAGATAGCAAG 16782
|||||
125_10 16738 CAGTGTCTTAAATCTTTTGCAGGGTAATGTTCAGGTGTGATTAATGTTCAGGATTAAT 16797
|||||
AH2012 16783 CAGTGTCTTAAATCTTTTGCAGGGTAATGTTCAGGTGTGATTAATGTTCAGGATTAAT 16842
|||||
125_10 16798 CGCAGCAATTTGGATGTGTGGGTATGTCTTTGGCTAAATCTTAAAGTGTTCAGGAGCT 16857
|||||
AH2012 16843 CGCAGCAATTTGGATGTGTGGGTATGTCTTTGGCTAAATCTTAAAGTGTTCAGGAGCT 16902
|||||
125_10 16858 GTTTTATTTCTTCTTAAACAGCCAGATATGTTCAGCAGCCGATCTAGGTCTACAA 16917
|||||
AH2012 16903 GTTTTATTTCTTCTTAAACAGCCAGATATGTTCAGCAGCCGATCTAGGTCTACAA 16962
|||||
125_10 16918 ATTACAGACAGTTGACATCACTCCAGGGTAGTGTGATGTATGCTTATACACAAATCT 16977
|||||
AH2012 16963 ATTACAGACAGTTGACATCACTCCAGGGTAGTGTGATGTATGCTTATACACAAATCT 17022
|||||
125_10 16978 TCGACTACTGCCATGCCCTGTATGTACAGAGTTTAAATGTGCCATACAGGGGCAAG 17037
|||||
AH2012 17023 TCGACTACTGCCATGCCCTGTATGTACAGAGTTTAAATGTGCCATACAGGGGCAAG 17082
|||||
125_10 17038 AAMGGCATATTTATATATATGTGATAGGTCCCTTTTGTATGTCTTAAATCTTTGAG 17097
|||||
AH2012 17083 AAMGGCATATTTATATATATGTGATAGGTCCCTTTTGTATGTCTTAAATCTTTGAG 17142
|||||
125_10 17098 CTAAATTTCTGTATTTGCAGGCTAATGAGGGTTGTGCTTTTAAAGGCTGTAGAGCA 17157
|||||
AH2012 17143 CTAAATTTCTGTATTTGCAGGCTAATGAGGGTTGTGCTTTTAAAGGCTGTAGAGCA 17202
|||||
125_10 17158 GGTGATGATGTGTGCCACATCTCACCTTAACACTCTTAAGTCTTACGGGACATTT 17217
|||||
AH2012 17203 GGTGATGATGTGTGCCACATCTCACCTTAACACTCTTAAGTCTTACGGGACATTT 17262
|||||
125_10 17218 AAGACTGATCAGATCTTGCTGTTCAATAGGTGTAAAGGACCTAAATATAGGACT 17277
|||||
AH2012 17263 AAGACTGATCAGATCTTGCTGTTCAATAGGTGTAAAGGACCTAAATATAGGACT 17322
|||||
125_10 17278 GTTATCTGTTTATGGGTTGCTGTTTGTATATCAACATACCCCAATCATATCTTCT 17337
|||||
AH2012 17323 GTTATCTGTTTATGGGTTGCTGTTTGTATATCAACATACCCCAATCATATCTTCT 17382
|||||
125_10 17338 TGCACAGCCGATCTTGCCATCTGCAATGTAGAGTTGTATAGGCTTTAGGCTGTAGAG 17397
|||||
AH2012 17383 TGCACAGCCGATCTTGCCATCTGCAATGTAGAGTTGTATAGGCTTTAGGCTGTAGAG 17442
|||||
125_10 17398 GCACATGTTGTGGCTCTACAGTGTGACAAATGTCCCATGCAATAGGGTTTCTAAC 17457
|||||
AH2012 17443 GCACATGTTGTGGCTCTACAGTGTGACAAATGTCCCATGCAATAGGGTTTCTAAC 17502
|||||
125_10 17458 GGTGTGATTTGTGTGACAGCTGAGGTTGGTGTATACAGAGTCTTGATGATACAT 17517
|||||
AH2012 17503 GGTGTGATTTGTGTGACAGCTGAGGTTGGTGTATACAGAGTCTTGATGATACAT 17562
|||||
125_10 17518 AAMCCGTGAGAGCTGTGCTCCACAGGGGACAAATTCAGACACTTTTGCCTTACT 17577
|||||
AH2012 17563 AAMCCGTGAGAGCTGTGCTCCACAGGGGACAAATTCAGACACTTTTGCCTTACT 17622
|||||
125_10 17578 AAMCGGCGCAACCACTGGATGTGTTCGCAACAGTATAGTACAGTGTGTATGACTAC 17637
|||||
AH2012 17623 AAMCGGCGCAACCACTGGATGTGTTCGCAACAGTATAGTACAGTGTGTATGACTAC 17682
|||||

【図 1 - 21】

FIG. 1 (cont'd)

125_10 18538 AGTAAGCATTTGCTATGTATCATAGTATTTAATGCTACAACTTTTACGTGGCG 18597
|||||
AH2012 18583 AGTAAGCATTTGCTATGTATCATAGTATTTAATGCTACAACTTTTACGTGGCG 18642
|||||
125_10 18598 GGCCTTACTATTTGGGTGCTTACTGTTTGCAGCTATATCTGTGGAGAGATTTAG 18667
|||||
AH2012 18643 GGCCTTACTATTTGGGTGCTTACTGTTTGCAGCTATATCTGTGGAGAGATTTAG 18702
|||||
125_10 18658 AACATTTGCAGGCTCTTGAGAACTTGCTTTCAATGTGTAAAGAAAGGATCTTTGT 18717
|||||
AH2012 18703 AACATTTGCAGGCTCTTGAGAACTTGCTTTCAATGTGTAAAGAAAGGATCTTTGT 18762
|||||
125_10 18718 GGTGCCAGAGTGAACCTTCTGTAGTAACTGATGATGATGATGATGATGATGAT 18777
|||||
AH2012 18763 GGTGCCAGAGTGAACCTTCTGTAGTAACTGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 18822
|||||
125_10 18778 ACTGTGATGATCTTGTGTTTACAAACAGAGATCACTACCACTAGCTAGCTTTGAG 18837
|||||
AH2012 18823 ACTGTGATGATCTTGTGTTTACAAACAGAGATCACTACCACTAGCTAGCTTTGAG 18882
|||||
125_10 18838 TTGTATGCAAGCTGAGTATGAGACTACCCCACTTACGATCTACGATGATGATGAT 18897
|||||
AH2012 18883 TTGTATGCAAGCTGAGTATGAGACTACCCCACTTACGATCTACGATGATGATGAT 18942
|||||
125_10 18898 GTAGTTGTGATCTTAAAGTGTGATTTGGGATGATGAGGCTGAGGCTGATCTACT 18957
|||||
AH2012 18943 GTAGTTGTGATCTTAAAGTGTGATTTGGGATGATGAGGCTGAGGCTGATCTACT 19002
|||||
125_10 18958 TTACAAAGATGATTTTAAATATACAGACTTTGAGGGTGAAGCTGTGATGATGAT 19017
|||||
AH2012 19003 TTACAAAGATGATTTTAAATATACAGACTTTGAGGGTGAAGCTGTGATGATGAT 19062
|||||
125_10 19018 AACAGCATTTGTGTTTCAATAGGAGTCTCATAGCCCAAAATGTGCTTATGTCA 19077
|||||
AH2012 19063 AACAGCATTTGTGTTTCAATAGGAGTCTCATAGCCCAAAATGTGCTTATGTCA 19122
|||||
125_10 19078 CTTACAGCTTTAAAGCTTATGAGGATTAAGTAACTTATGTTATCTTAAAGTGTCT 19137
|||||
AH2012 19123 CTTACAGCTTTAAAGCTTATGAGGATTAAGTAACTTATGTTATCTTAAAGTGTCT 19182
|||||
125_10 19138 CCGATTACAGCATGAAGATAAATCTTACTTGATGATTTACACTAGGAGAACGGC 19197
|||||
AH2012 19183 CCGATTACAGCATGAAGATAAATCTTACTTGATGATTTACACTAGGAGAACGGC 19242
|||||
125_10 19198 AAGTTCAGAGCATCTTGTATGCTATTTTACCAAGATGAGAACACCCGATTTAGC 19207
|||||
AH2012 19243 AAGTTCAGAGCATCTTGTATGCTATTTTACCAAGATGAGAACACCCGATTTAGC 19292
|||||
125_10 19208 CCGCTAGGAGCATGAAGAACCTTCTAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 19217
|||||
AH2012 19253 CCGCTAGGAGCATGAAGAACCTTCTAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 19262
|||||
125_10 19218 TACGAGCTTGAAGATCTAGGCTTTGAGAGAGCTGTGATGATGATGATGATGATGAT 19227
|||||
AH2012 19263 TACGAGCTTGAAGATCTAGGCTTTGAGAGAGCTGTGATGATGATGATGATGATGAT 19272
|||||
125_10 19238 CTTGGTGGTGTGATCTAAATTTGAGAGGCTGTGCTGGCTGATAGGCTGTGATGAT 19247
|||||
AH2012 19283 CTTGGTGGTGTGATCTAAATTTGAGAGGCTGTGCTGGCTGATAGGCTGTGATGATGAT 19292
|||||
125_10 19248 ATAGAGAGTGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 19257
|||||
AH2012 19293 ATAGAGAGTGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 19302
|||||

【図 1 - 20】

FIG. 1 (cont'd)

125_10 17638 CTGGCCCAACCTATCAGACATACATAATTTTGTGTGTGGGCTGGTGTGTGGAGTTGACA 17697
|||||
AH2012 17683 CTGGCCCAACCTATCAGACATACATAATTTTGTGTGTGGGCTGGTGTGTGGAGTTGACA 17742
|||||
125_10 17698 ACTATGCTGTTATTTTGTGAGATTTGAGCAAGTAAAGGTTGTGATTTGGTAAAGTGTCT 17757
|||||
AH2012 17743 ACTATGCTGTTATTTTGTGAGATTTGAGCAAGTAAAGGTTGTGATTTGGTAAAGTGTCT 17802
|||||
125_10 17758 ACTTGTACAAATAGTGGCTGCAATAGTACTGTGTTTCAAACTAGCCCTTGTGTGTGAT 17817
|||||
AH2012 17803 ACTTGTACAAATAGTGGCTGCAATAGTACTGTGTTTCAAACTAGCCCTTGTGTGTGAT 17862
|||||
125_10 17818 TATCTGTATACCCATACGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 17877
|||||
AH2012 17863 TATCTGTATACCCATACGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 17922
|||||
125_10 17878 CTTAAACCACTAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 17937
|||||
AH2012 17923 CTTAAACCACTAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 17982
|||||
125_10 17938 ATATGATGCTGCTGTGTGCTGCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 17997
|||||
AH2012 17983 ATATGATGCTGCTGTGTGCTGCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 18042
|||||
125_10 17998 ACATACCACTTATTTGATGATGAGGCTGTTATTAAGAGAGGCTGATGATGATGATGAT 18057
|||||
AH2012 18043 ACATACCACTTATTTGATGATGAGGCTGTTATTAAGAGAGGCTGATGATGATGATGAT 18102
|||||
125_10 18058 CACACTATGCTGCTGATTTCTTAAGTTATACACTTCAAGAGCATATGATGATGATGAT 18117
|||||
AH2012 18103 CACACTATGCTGCTGATTTCTTAAGTTATACACTTCAAGAGCATATGATGATGATGAT 18162
|||||
125_10 18118 CCTAAGGGCATTAAGTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 18177
|||||
AH2012 18163 CCTAAGGGCATTAAGTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 18222
|||||
125_10 18178 ATTAATCTTAATGTCAGAGCATTTGAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 18237
|||||
AH2012 18223 ATTAATCTTAATGTCAGAGCATTTGAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 18282
|||||
125_10 18238 TTGTGCTGTTTGTGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 18297
|||||
AH2012 18283 TTGTGCTGTTTGTGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 18342
|||||
125_10 18298 TTGTGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 18357
|||||
AH2012 18343 TTGTGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 18402
|||||
125_10 18358 GTTAATTAATCAATGATTTCAATACAGGCTTTTGTGAGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 18417
|||||
AH2012 18403 GTTAATTAATCAATGATTTCAATACAGGCTTTTGTGAGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 18462
|||||
125_10 18418 CCAATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 18477
|||||
AH2012 18463 CCAATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 18522
|||||
125_10 18478 TATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 18537
|||||
AH2012 18523 TATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 18582
|||||

【図 1 - 22】

FIG. 1 (cont'd)

125_10 19498 GATACCCCTAGTAGAGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 19557
|||||
AH2012 19543 GATACCCCTAGTAGAGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 19602
|||||
125_10 19558 AGCATTTTAAATCTTTGGATTTGGGCTGTGATCTTAAGTTGATGAGTTTGTGCTGAT 19617
|||||
AH2012 19603 AGCATTTTAAATCTTTGGATTTGGGCTGTGATCTTAAGTTGATGAGTTTGTGCTGAT 19662
|||||
125_10 19568 TGTAAATGATGAGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 19577
|||||
AH2012 19663 TGTAAATGATGAGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 19722
|||||
125_10 19578 CACCTTACGAGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 19737
|||||
AH2012 19723 CACCTTACGAGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 19782
|||||
125_10 19738 GGTATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 19797
|||||
AH2012 19783 GGTATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 19842
|||||
125_10 19798 GGCATTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 19857
|||||
AH2012 19843 GGCATTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 19902
|||||
125_10 19858 ATGTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 19917
|||||
AH2012 19903 ATGTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 19962
|||||
125_10 19918 GACCTTGGAGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 19927
|||||
AH2012 19963 GACCTTGGAGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 20022
|||||
125_10 19978 GATAGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 20037
|||||
AH2012 20023 GATAGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 20082
|||||
125_10 20038 TACCTTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 20097
|||||
AH2012 20083 TACCTTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 20142
|||||
125_10 20098 TGTGATGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAG 20157
|||||
AH2012 20143 TGTGATGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAG 20202
|||||
125_10 20158 GATAGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 20217
|||||
AH2012 20203 GATAGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 20262
|||||
125_10 20168 GATAGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 20177
|||||
AH2012 20263 GATAGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 20322
|||||
125_10 20227 CAGCTGATGCTGAGAGGATCTTAATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 20236
|||||
AH2012 20323 CAGCTGATGCTGAGAGGATCTTAATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 20382
|||||
125_10 20237 GCTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 20247
|||||
AH2012 20383 GCTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 20442
|||||

【 図 1 - 2 4 】

		FIG. 1 (cont'd)		
125_10	20397	TATGACATGCTCTACAAATGCTAGTCAATGATTAAGCAAGTCAATGTAAAGCAATAGGC	20456	
AHQ012	20443	TATGACATGCTCTACAAATGCTAGTCAATGATTAAGCAAGTCAATGTAAAGCAATAGGC	20502	
125_10	20467	TACAGTGTCTCAATTAATTAAGAAATCATCAATAGATGTGTGGTAAAGTGGTGA	20516	
AHQ012	20503	TACAGTGTCTCAATTAATTAAGAAATCATCAATAGATGTGTGGTAAAGTGGTGA	20562	
125_10	20517	GAATGGTAAGTGTCTAGTGGCAATAATAGACCCATTTGGTGGTTTCTAACTCATTTGGT	20576	
AHQ012	20563	GAATGGTAAGTGTCTAGTGGCAATAATAGACCCATTTGGTGGTTTCTAACTCATTTGGT	20622	
125_10	20577	CAGATCAACCAAGTAAGGCTTTTACCACTCTTGTGGTTTCTTACAGACTTCTTCAAGA	20586	
AHQ012	20623	CAGATCAACCAAGTAAGGCTTTTACCACTCTTGTGGTTTCTTACAGACTTCTTCAAGA	20682	
125_10	20637	CTATACCTACACCAAGATTCACAGGTCCTGAGCTAACACTAATTTAAGGCGGCTCTT	20646	
AHQ012	20683	CTATACCTACACCAAGATTCACAGGTCCTGAGCTAACACTAATTTAAGGCGGCTCTT	20742	
125_10	20697	TCAAAATTAATGTTCAAGCGCTCGAGTGTGTATCGGGGGTATTCTACACTATTGGT	20756	
AHQ012	20743	TCAAAATTAATGTTCAAGCGCTCGAGTGTGTATCGGGGGTATTCTACACTATTGGT	20802	
125_10	20787	GAAGAACCGGGTGCATTCAACCTGTGGTAGTCTGGCCAGCACTCAAGCTGTAGTGGC	20816	
AHQ012	20803	GAAGAACCGGGTGCATTCAACCTGTGGTAGTCTGGCCAGCACTCAAGCTGTAGTGGC	20862	
125_10	20817	GTTCATGATATCTTTAGGACATATTAAGAGGTGTATGGCTTTGGAGATTGGCATTCG	20876	
AHQ012	20863	GTTCATGATATCTTTAGGACATATTAAGAGGTGTATGGCTTTGGAGATTGGCATTCG	20922	
125_10	20877	CAAGAGCCTTTGAGCCATAGTGGTTACACGATTTATTTACATTAAGGCTATTAACAGGTAC	20896	
AHQ012	20863	CAAGAGCCTTTGAGCCATAGTGGTTACACGATTTATTTACATTAAGGCTATTAACAGGTAC	20942	
125_10	20937	ACTATGCTATCGGGCAGTGGCATTTGGCATTTCTAGCAATTAAACATATGGGCCCC	20996	
AHQ012	20983	ACTATGCTATCGGGCAGTGGCATTTGGCATTTCTAGCAATTAAACATATGGGCCCC	21042	
125_10	20987	ACTGCTATGCTATTAACATAGGCTATTAATGGCTATTTGCTAATTAACAAAGCCATCCGCT	21062	
AHQ012	20983	ACTGCTATGCTATTAACATAGGCTATTAATGGCTATTTGCTAATTAACAAAGCCATCCGCT	21118	
125_10	21057	CATATAGTGAACATAGTGTGTGGCATTAACAGGGAATGATGCTGTACTCTCTTT	21102	
AHQ012	21083	CATATAGTGAACATAGTGTGTGGCATTAACAGGGAATGATGCTGTACTCTCTTT	21162	
125_10	21117	TGTCAGCAGATCTATATTTTATTTTAAAGATGATGGTCCGCTGTGCGCAAGATGGT	21176	
AHQ012	21063	TGTCAGCAGATCTATATTTTATTTTAAAGATGATGGTCCGCTGTGCGCAAGATGGT	21232	
125_10	21177	TACAAGAGTGGAGTGTGCTATGCGAATAGTATAGCAAGCCCACTATTACAAGCTTAAT	21236	
AHQ012	21223	TACAAGAGTGGAGTGTGCTATGCGAATAGTATAGCAAGCCCACTATTACAAGCTTAAT	21282	
125_10	21237	GTATACCTGCTGCTGGAGGATGGATGTTCTTAAACCCCTACAGCAATTTGCATGTT	21246	
AHQ012	21283	GTATACCTGCTGCTGGAGGATGGATGTTCTTAAACCCCTACAGCAATTTGCATGTT	21342	
125_10	21297	TATGCTGCAATATTTACTTCTAGGCAATGGCCCAATACAGGAAGTTTAAAGTTT	21302	
AHQ012	21343	TATGCTGCAATATTTACTTCTAGGCAATGGCCCAATACAGGAAGTTTAAAGTTT	21402	

【 図 1 - 2 5 】

FIG. 1 (cont'd)

125_15	22317	CAATCTGTAAATGATACCGTCTTTAGCAAAATTTGGTGTTCACCAAGCCTTTTGGCT	22382
AHQ012	22363	CAATCTGTAAATGATACCGTCTTTAGCAAAATTTGGTGTTCACCAAGCCTTTTGGCT	22426
125_15	22377	AGTGGCTACCAATAGATCTTTTGGTACCCGAGTTTGGTAGAGGTGTAAAGTTATAGC	22438
AHQ012	22423	AGTGGCTACCAATAGATCTTTTGGTACCCGAGTTTGGTAGAGGTGTAAAGTTATAGC	22482
125_15	22437	TCCTCTTACTTCAATCAAGAAGGTGGTGTATACGCGACAGTAACCAACATCGAA	22496
AHQ012	22483	TCCTCTTACTTCAATCAAGAAGGTGGTGTATACGCGACAGTAACCAACATCGAA	22542
125_15	22487	GGGTGACGAGCACTTTTATGACCTGGATGTGTACCTACAGATATACATCTATGCGG	22556
AHQ012	22543	GGGTGACGAGCACTTTTATGACCTGGATGTGTACCTACAGATATACATCTATGCGG	22602
125_15	22557	TTTAAAGGTGAGGATCATACCTACCTCAAAATTCAGCTTTTGCGAGGTTGTTATTAC	22616
AHQ012	22583	TTTAAAGGTGAGGATCATACCTACCTCAAAATTCAGCTTTTGCGAGGTTGTTATTAC	22630
125_15	22617	ACATCTGCTTTGCGAGAGTTGTAGCTTTAAAGAATGCTACATGTAGGTGCTGTATTATC	22676
AHQ012	22663	ACATCTGCTTTGCGAGAGTTGTAGCTTTAAAGAATGCTACATGTAGGTGCTGTATTATC	22712
125_15	22627	GTATACGATCTTTTTCCTTCAGAGCAGGTCGATGTATGGATGATATAGTGGTATTTCT	22732
AHQ012	22723	GTATACGATCTTTTTCCTTCAGAGCAGGTCGATGTATGGATGATATAGTGGTATTTCT	22782
125_15	22737	ATTTCAGTGTGTCTACAGTCCACTTTAACAGTACATGAGGAAGTGGCTGGTCTTCTCTAC	22792
AHQ012	22783	ATTTCAGTGTGTCTACAGTCCACTTTAACAGTACATGAGGAAGTGGCTGGTCTTCTCTAC	22842
125_15	22747	CATTCTAATGATGGCTCAATGTACAGACGCTGTGTGGGTATATAGTACATAGGTTGT	22856
AHQ012	22793	CATTCTAATGATGGCTCAATGTACAGACGCTGTGTGGGTATATAGTACATAGGTTGT	22902
125_15	22857	TGTAARACTGCGAAGATGCGATACCTCCCATTCAGCTTGGCAAGTCAGATATGCACC	22916
AHQ012	22903	TGTAARACTGCGAAGATGCGATACCTCCCATTCAGCTTGGCAAGTCAGATATGCACC	22952
125_15	22917	ACGGTCTATGGGATATATAGTATTCACCAACACTTTAGTAGAGATATAGGCAAGATAT	22976
AHQ012	22963	ACGGTCTATGGGATATATAGTATTCACCAACACTTTAGTAGAGATATAGGCAAGATAT	23022
125_15	22977	TTACAGCTTTACACACAGGCTGTAGTGTGATGTGGCCAAATATGTGTGATAGTACAC	23036
AHQ012	23023	TTACAGCTTTACACACAGGCTGTAGTGTGATGTGGCCAAATATGTGTGATAGTACAC	23082
125_15	23037	TCCTGTGTAAACATATCTACACCCAGATACAGTACAGCATGTGAAGCATAGATGACGCA	23096
AHQ012	23083	TCCTGTGTAAACATATCTACACCCAGATACAGTACAGCATGTGAAGCATAGATGACGCA	23142
125_15	23097	TTACAGCTCAGGCTAGGCTGAGGTGTGGATGTGATGAGCTATCTATGCTTACTATTGAA	23156
AHQ012	23143	TTACAGCTCAGGCTAGGCTGAGGTGTGGATGTGATGAGCTATCTATGCTTACTATTGAA	23202
125_15	23157	GAGGCTCTACATAGCTACATAGTGGTGTAAATGGATGGATGGATATATTTACTAAT	23216
AHQ012	23203	GAGGCTCTACATAGCTACATAGTGGTGTAAATGGATGGATGGATATATTTACTAAT	23262
125_15	23217	GTCGTGGGTTGTTCTGCTGTATGATGATCGTCGAAAGGGCAGAGGTGATACAAAGAAGTCT	23232
AHQ012	23263	GTCGTGGGTTGTTCTGCTGTATGATGATGATCGTCGAAAGGGCAGAGGTGATACAAAGAAGTCT	23322

FIG. 1 (cont'd)

125_10	21307	AAATAATGGTTTCTTGTCCAAATGTCACCTTTGGTGGCATGGAGGTGGTTCCAC	21416
AH2182	21403		
125_12	21407	AAATATGATGCTTCTGTGGATGATTCACCTTGTGGATGGTAGGGTGGTTCCAGC	21462
AH2182	21403		
125_13	21417	CAMCATATGTTTGGTCAATGTTCTTTGGGCATCTCAAGATATATGGACATGGCAAT	21476
AH2182	21463	CACCATTTGTTGGTCAATGTTCTTTGGGCATCTCAAGATATATGGACATGGCAAT	21522
125_14	21427	TTCTCTTTTAATCAACAGCATGATGGTTTGTATGAGTGGCTGTGGACAGGTGCCA	21536
AH2182	21529		
125_15	21537	GAGGCTCAGAGTTAAATTAATGACCAATCIGCATCTTGTGGAGGCAATGATGA	21596
AH2182	21583	GAGGCTCAGAGTTAAATTAATGACCAATCIGCATCTTGTGGAGGCAATGATGA	21642
125_16	21597	CTCATACGCTTGAAGCAACAATTTTCTTTGTTGCGATTAATCCCCAAATCTCAC	21656
AH2182	21643	CTCATACGCTTGAAGCAACAATTTTCTTTGTTGCGATTAATCCCAATCTCAC	21702
125_17	21657	TTAGGCACTCTGGCATAACTCGGCTGACCAAGATACCATTAATGTTTCTTTAA	21716
AH2182	21703	TTAGGCACTCTGGCATAACTCGGCTGACCAAGATACCATTAATGTTTCTTTAA	21762
125_18	21717	GTGGATCTTCAACATCTCACTTGTATAAAATTTGCGATTTGCTTACCTACCGTGAG	21776
AH2182	21763	GTGGATCTTCAACATCTCACTTGTATAAAATTTGCGATTTGCTTACCTACCGTGAG	21822
125_19	21777	GAATTTGATCATACCAAGATATGGATGATTTATCAATGGGTTGGATGATCTGATC	21836
AH2182	21823	GAATTTGATCATACCAAGATATGGATGATTTATCAATGGGTTGGATGATCTGATC	21882
125_20	21837	GGTTTGGTGGAGTGTGTCACAAATTAATCTACGTGGATGGCAATGATGTTTCT	21896
AH2182	21883	GGTTTGGTGGAGTGTGTCACAAATTAATCTACGTGGATGGCAATGATGTTTCT	21942
125_21	21897	GGTTTGGAGCATAGCAATGCAGTAATTTGTGTGATGCATCTCGAGTTCAGGACAA	21956
AH2182	21943	GGTTTGGAGCATAGCAATGCAGTAATTTGTGTGATGCATCTCGAGTTCAGGACAA	22002
125_22	21957	GCATCTACGCTATTCTTTATGTGATGATCTGTGATCCCAAGCTTCTCTTCAGGTT	22016
AH2182	22003	GCATCTACGCTATTCTTTATGTGATGATCTGTGATCCCAAGCTTCTCTTCAGGTT	22062
125_23	22017	GGTTTGACCTTCAGCATGATGTTTACCATTTCTTTAGAAAATCTTGAGTATCAAG	22076
AH2182	22063	GGTTTGACCTTCAGCATGATGTTTACCATTTCTTTAGAAAATCTTGAGTATCAAG	22122
125_24	22027	CAGCCAAATCTTTTGTACTCTGCACATCTTAATGAATCATCTTTTGTAACTATCT	22136
AH2182	22123	CAGCAATTTCTTTGTACTCTGCACATCTTAATGAATCATCTTTTGTAACTATCT	22182
125_25	22037	GTATCTGCTCTCTTTGGTGGTCAATGAGTGGCCAACTTAATGCAATCGACATACAT	22196
AH2182	22183	GTATCTGCTCTCTTTGGTGGTCAATGAGTGGCCAACTTAATGCAATCGACATACAT	22242
125_26	22197	AATGGGTTAGTTCTTCTTGTTGGACATGAGCAATTAACCTATCTCACTTTTATAC	22256
AH2182	22243	AATGGGTTAGTTCTTCTTGTTGGACATGAGCAATTAACCTATCTCACTTTTATAC	22302
125_27	22257	GTTACAAACAGTATGGTATGTGTCTAAATCAGACAGCAATATGCTCTTCACTGTT	22316
AH2182	22303	GTTACAAACAGTATGGTATGTGTCTAAATCAGACAGCAATATGCTCTTCACTGTT	22362

【 図 1 - 2 6 】

[illegible]

【 図 1 - 2 8 】

FIG. 1 (cont'd)

125_130	25337	ACGACATCTTCTTTCATGTGTAAGACGATCTATTATGAGGGCAAACTCATGTGATT	25196
AHQ812	25373	ACGACATCTTCTTTCATGTGTAAGACGATCTATTATGAGGGCAAACTCATGTGATT	25232
125_130	25337	TGAGAGAGGTGGTCACTATCACTATCTTGGGACATCTGTGTCTGTGTATGAT	25196
AHQ812	25323	TGAGAGAGGTGGTCACTATCACTATCTTGGGACATCTGTGTCTGTGTATGAT	25266
125_130	25337	ATGCACTGTGATCTGATATACGAGGGGCGAGAGAGGATGACATCTATCTGTGCAGAT	25196
AHQ812	25293	ATTGATCTGTGATCTGATATACGAGGGGCGAGAGAGGATGACATCTGTGCAGAT	25326
125_130	25337	TGTGGACATCTTGAAGAGAGAGATGATGTCCTTCTGGCAACAAGATGTGAGGAT	25196
AHQ812	25363	TGTGGACATCTTGAAGAGAGAGATGATGTCCTTCTGGCAACAAGATGTGAGGAT	25402
125_130	25377	ACTAATGTGCATTGATGCATCAATCTACAGAGATGATCTTACAAATAGGATGATAT	25438
AHQ812	25413	ACTAATGTGCATTGATGCATCAATCTACAGAGATGATCTTACAAATAGGATGATAT	25478
125_130	25447	TGGTCTAGATGATGATATATCTTGGGCTTGTGACATCTGTGTGTATATATAG	25502
AHQ812	25493	TGGTCTAGATGATGATATATCTTGGGCTTGTGACATCTGTGTGTATATATAG	25538
125_130	25493	CATTCTCTGTGTCATGATCTTAAATCTGTCTACATCTTCCGCGTGTGATGATGAT	25558
AHQ812	25533	CATTCTCTGTGTCATGATCTTAAATCTGTCTACATCTTCCGCGTGTGATGATGAT	25586
125_130	25567	AGTTTACACACATAGGCGGCTGTGATAGGATATAGTCTACATCAAGATAGATG	25612
AHQ812	25593	AGTTTACACACATAGGCGGCTGTGATAGGATATAGTCTACATCAAGATAGATG	25638
125_130	25637	CCTCCCGAGTCGATTGATAGAGATAAAGCAAGATATGCTCAAGCGTCTATCCCGTG	25676
AHQ812	25663	CCTCCCGAGTCGATTGATAGAGATAAAGCAAGATATGCTCAAGCGTCTATCCCGTG	25732
125_130	25677	ATGAGGATCTTCAACACATAGGAGATGGAATTCACATAGGAGATCATCACTGAGCAT	25726
AHQ812	25713	ATGAGGATCTTCAACACATAGGAGATGGAATTCACATAGGAGATCATCACTGAGCAT	25778
125_130	25717	TACTGTGATGCTTCAGTGAAGATCAACAGATCTGGGCTGTGTGTATGATGATGAT	25792
AHQ812	25773	TACTGTGATGCTTCAGTGAAGATCAACAGATCTGGGCTGTGTGTATGATGATGAT	25838
125_130	25787	TGGCATCTATATGATGATCTTGGGCTGTGTGTATGACATCTCACTTTGATCATGGG	25866
AHQ812	25883	TGGCATCTATATGATGATCTTGGGCTGTGTGTATGACATCTCACTTTGATCATGGG	25916
125_130	25887	CTAGGCTTCAGGTCGAAATGGGCTCTTTGGCTTGAGATCTCTATAGGCTTGATCATCT	25918
AHQ812	25893	CTAGGCTTCAGGTCGAAATGGGCTCTTTGGCTTGAGATCTCTATAGGCTTGATCATCT	25958
125_130	25917	TATATGCTGTGATGATGATCTTCTCAATAGGATCTGTGCTGGGACAGACATCTAT	25952
AHQ812	25953	TATATGCTGTGATGATGATCTTCTCAATAGGATCTGTGCTGGGACAGACATCTAT	26018
125_130	25977	GGTGGTCTTCAATCTGAAACAGAGGCGTCTCACTACTCTGTGATGGGCGACAGG	25982
AHQ812	26013	GGTGGTCTTCAATCTGAAACAGAGGCGTCTCACTACTCTGTGATGGGCGACAGG	26078

【 図 1 - 3 0 】

FIG. 1 (cont'd)

[illegible]

FIG. 1 (cont'd)

125_10 27897 CGAGTAATCAAGATCCGCTTGACGACCTATATGAAGACGCTCCAGGATTTGACT 27956
 AH2012 27933 CGAGTAATCAAGATCCGCTTGACGACCTATATGAAGACGCTCCAGGATTTGACT 27966

125_10 27957 AAGGACTGTTAGTAACTGAAGACCTGACGGTGTGATAT 27995
 AH2012 27993 AAGGACTGTTAGTAACTGAAGACCTGACGGTGTGATAT 28031

【図 2】

FIG. 2

もっとも近い北アメリカPEDV G2a株：コロラド2013 (US_Col) (GenBank Accn#: K272660) (配列番号:1)のヌクレオチド45から28031)とアラインメントを実施した PEDV 1251-125-10 (125-10) のほぼ完全なゲノム (配列番号:1)

125_10	1	GA	CTCTGCTACCTCAATCACTAAGCAAAATCCTTGCTCTCCGGCCGATGTCAT	60
US_Col	45			102
125_10	61	GGCTGTGGAAGCTGACGTGAATCTTCAATAGGTTTCTTAAGTAGCATGCAAGAGTCTG	120	
US_Col	103			162
125_10	121	TGCTGCTCTTCTGATCTGGTCTGGGCTTCGGTGGCTTCTACATATAGACAACAGCCT	180	
US_Col	163			222
125_10	181	TCTCTCGGTTCCGCTGGGGCTTGTGTGGATTAACATCTCGCTGATGTTGAACCACTA	240	
US_Col	223			282
125_10	241	ACTGTGCGCTATGGCTAGCAACCATGTATACATTTGGCAATGTGCAAAATTTCT	300	
US_Col	283			342
125_10	361	AGCTTTTGGCTTTTGACAGTGAAGAGCGCTCATACATTTCTGAGGCGCCGCTAG	360	
US_Col	343			402
125_10	361	TGGAATTTATGCAATGCGTTTCTGATCTCTGATCTGCTGACATCTTGAGGAGTCTCT	420	
US_Col	403			462
125_10	421	TCCCGAAGACTATGTATGT	480	
US_Col	463			522
125_10	481	TTTTGGTGGTCCGCCAAACATTTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	540	
US_Col	523			582
125_10	541	CCTCGAAGGATAGAGCTTACTTTTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	600	
US_Col	583			642
125_10	601	ATACATCTGT	660	
US_Col	643			702
125_10	661	TTTCTTGCTGACCTGACGAGAGCGGTCAACTCAACTCTGCTGATCTCTGATCTGATCTG	720	
US_Col	703			762
125_10	721	CTGGATGTAGAGGATCGAGATCTCTTATGCTGATCGAGATTAACATCTATTAAATCT	780	
US_Col	763			822
125_10	781	TATTACTTACTGTCTCAACCTATGAGCATCTTTCTGATGATCTGATGATGATGATGATG	840	
US_Col	823			882

【図 2 - 3】

FIG. 2 (cont'd)

125_10	1801	TCGTTACACAGCCCTTTTATTTGGAGATCACTACCAAGTGGTTTCCAGGCGGTGAAAA	1860
US_Col	1843		1902
125_10	1861	TGCAATGTGAATCTGCTGTGTGAGAGATGTGACCTCAACACACGCTGTGTGTGTGTGT	1920
US_Col	1903		1962
125_10	1961	AGTTGTGTGTGAGGAGCTGATCTCTGAGAGTGAAGGTTTATGACATCTTCTGTGA	2000
US_Col	1963		2022
125_10	1981	TGCTGAGCTGTGATCTGACATCTGCTTATGAGTCTGCTGTGAGGCTGAGGCTGCTG	2040
US_Col	2023		2082
125_10	2041	TGAGTGTGAGCCCAATAGATCTTCTGATGCTGTGAGGCTGAGGCTGAGGCTGAGGCTG	2100
US_Col	2083		2142
125_10	2101	TGTGCAAGCTGTGCTGTGCTTAAATTTACACACTCTTATAAATCTACAGCTGCTGT	2160
US_Col	2143		2202
125_10	2161	TGTGCAAGCTGTGCTGTGCTTAAATTTACACACTCTTATAAATCTACAGCTGCTGT	2220
US_Col	2203		2262
125_10	2221	GGAGGCTGCTGATTTTGTGAGCTCTGTGACCAAGAGATGATGATGATGATGATGATGATG	2280
US_Col	2263		2322
125_10	2281	TGAGTTTATCATCTACGCCATGACCAAGAGGATCTGCAAGGTTGTGATCACTTTGTTG	2340
US_Col	2323		2382
125_10	2341	CAGATGTGAGTTTGTGATTTTATGCTATATCCACAGTTGTCCAGCTGCTTGA	2400
US_Col	2383		2442
125_10	2401	AGAGTTGATGT	2460
US_Col	2443		2502
125_10	2461	TTTTTGAAGCATCTTAAGTCAAGTGTGAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	2520
US_Col	2503		2562
125_10	2521	CAAAATTAAGCACTGT	2580
US_Col	2563		2622
125_10	2581	GGTGGAAATCTGTGATGCTGGCGGTTTAACTCAAGTATTAAGCAAGTGTCCCAAA	2640
US_Col	2623		2682
125_10	2641	AATTTGTGTTGGGCTGT	2700
US_Col	2683		2742
125_10	2701	TCTGTGTCAGGAGGCGGTGAGAGTTTAAAGTCTTCTTAACTGCTGTGATGCTGTGTGT	2760
US_Col	2743		2802

【図 2 - 2】

FIG. 2 (cont'd)

125_10	841	ACCTACTCCAAAGATTAAAGAGATGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	900
US_Col	883		942
125_10	901	GGAAATTTGGTTCTCTTTTGTGATTAAGGAGGATGCTGCTTCTATCATTAAGAGACC	960
US_Col	943		1002
125_10	961	AGTTTCTCCAGCGTTTGTAAAGTGAAGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	1020
US_Col	1003		1062
125_10	1021	TTGGACTTCTATGTCTGACCTGTGCTGCTGCTTAAAGTGTAAAGGAGCTCTGTGTGTGT	1080
US_Col	1063		1122
125_10	1081	ATGCTGTGCTACGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1140
US_Col	1123		1182
125_10	1141	GTATTACAAACAACTGCTTCTGCGGATGTGCGAGACATTGATGAGGTTGCAATCTGCGG	1200
US_Col	1183		1242
125_10	1201	AATTTCAAGGTGAGCTCAAGAGAGACCTGCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1260
US_Col	1243		1302
125_10	1261	TGAGGAAGGTTTACAGATCTTGTCTACTTTTGAATGATCTGAGCTTCTGATGCTG	1320
US_Col	1303		1362
125_10	1321	CAAGTTTGAACATCTTATGCAAGTTTCTGATGAGGTTCAAGCAAGCTTCTGCTGCTGCTG	1380
US_Col	1363		1422
125_10	1381	TCATGTGTGTGTGTGCGAGCGCGTCTGATGCTTGTGATGATGATGATGATGATGATGATG	1440
US_Col	1423		1482
125_10	1441	GTATTACGATGAGCTTGTGAGCTTGTGAGGCTGAGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCTTGTG	1500
US_Col	1483		1542
125_10	1501	TAGAGGCTTAACTCTCTGCTGATGAGGCTGCTGCTTGTGCAAAAGCTTGTGCTGCTG	1560
US_Col	1543		1602
125_10	1561	CACCTTAAATGTGTGATGAGGTTTGTGATGAGGTTTGTGATGAGGTTTGTGATGAGGTTT	1620
US_Col	1603		1662
125_10	1621	TGCGGCTGCTACAGTTTGTGCACTTCTGAAATGAGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCTTGTG	1680
US_Col	1663		1722
125_10	1681	CTTAAGGCTGAGGATTAAGCTTAAAGGCTTGTGCTGCTTGTGCTGCTTGTGCTGCTGCTG	1740
US_Col	1723		1782
125_10	1741	ATTGTTTAACTGTGTGAGGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCTTGT	1800
US_Col	1783		1842

【図 2 - 4】

FIG. 2 (cont'd)

125_10	2761	ACACGTGTCTATGAATCTTTTGTGAAATTAGAGAGACGACATTAACACACAGC	2820
US_Col	2803		2862
125_10	2821	ACTCAATGATAGTATGCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	2880
US_Col	2863		2922
125_10	2881	CTATCCAGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	2940
US_Col	2923		2982
125_10	2941	TGTCAATCTCTGATGAGGCTCTGTGATGAGGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCT	3000
US_Col	2983		3042
125_10	3001	TGAAATGAGGCTGAGGCTGAGGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCT	3060
US_Col	3043		3102
125_10	3061	TATCAAGGCTACAGGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCT	3120
US_Col	3103		3162
125_10	3121	TCTTAAGATCACTGATGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	3180
US_Col	3163		3222
125_10	3181	TCTTAAGATCACTGATGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	3240
US_Col	3223		3282
125_10	3241	TCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	3300
US_Col	3283		3342
125_10	3301	CTCTCTGAGGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCTTGT	3360
US_Col	3343		3402
125_10	3361	TAAATGAGGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCTTGTGAGGCTTGT	3420
US_Col	3403		3462
125_10	3421	CTTTA--AAGATACACTTCCACAGTACTAAGGATCTTTTGTGCTTGTGCTGCTGCTGCTG	3477
US_Col	3463		3522
125_10	3478	CTATGAGGCTTAAAGTTTAAAGCAATCTATACACAGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	3537
US_Col	3523		3582
125_10	3538	GGTGGAGCTTAAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	3597
US_Col	3583		3642
125_10	3598	TAGAGTTGCTCAATGTTGCAAGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	3657
US_Col	3643		3702

【 図 2 - 6 】

FIG. 2 (cont'd)

125_135	4638	CAAGATGTCACCTGTTGATACCTCTCTCAGGAGATGTTCAACAGTTTACCAAAA	4673
US_Col_4661		CAAGATGTCACCTGTTGATACCTCTCTCAGGAGATGTTCAACAGTTTACCAAAA	4722
125_135	4678	ACCAATGTTCCGTAATTTTAACTCCTTCAGAGTTGAGAGTCTCTCTATGAGTG	4703
US_Col_4721		ACCAATGTTCCGTAATTTTAACTCCTTCAGAGTTGAGAGTCTCTCTATGAGTG	4798
125_135	4738	CACCCCAAGGAGTTTGTAGTGTATAGGTCAGTCAAGCAGGTTGGTGTGTTACAAATTCAA	4763
US_Col_4783		CACCCCAAGGAGTTTGTAGTGTATAGGTCAGTCAAGCAGGTTGGTGTGTTACAAATTCAA	4878
125_135	4798	TTTGGATTTGTAGGCTGTGTAAGTGCTGTACAAATGATGCGGCGTCAATGCTGTGA	4853
US_Col_4843		TTTGGATTTGTAGGCTGTGTAAGTGCTGTACAAATGATGCGGCGTCAATGCTGTGA	4968
125_135	4858	AGCCATTAATGTTATTTAAAAGAGTAAACAAACGCTGCTGGCAAGCTGTACTTT	4913
US_Col_4903		AGCCATTAATGTTATTTAAAAGAGTAAACAAACGCTGCTGGCAAGCTGTACTTT	5018
125_135	4918	TGAGTGTSCAGATGATGATTTCTACTACTAGTGATATTCGCATCTGAGCGTATCTAA	4973
US_Col_4963		TGAGTGTSCAGATGATGATTTCTACTACTAGTGATATTCGCATCTGAGCGTATCTAA	5088
125_135	4978	TGTATGAAAATTTATCACACGCGCTGCTCAGGATGTCTAAAGTAAAGGCAATGATT	5003
US_Col_5023		TGTATGAAAATTTATCACACGCGCTGCTCAGGATGTCTAAAGTAAAGGCAATGATT	5118
125_135	5038	GCTTCTGCTGTGGTATGTCATGTGTATCCAGTTGCTCCCACTCAGGCTGTAGGTT	5093
US_Col_5083		GCTTCTGCTGTGGTATGTCATGTGTATCCAGTTGCTCCCACTCAGGCTGTAGGTT	5143
125_135	5098	CGTATCCACCACTGATGCTGGAGGCTGTTTCCAAATTAAGAGCTGGGTATATAGGTT	5123
US_Col_5143		CGTATCCACCACTGATGCTGGAGGCTGTTTCCAAATTAAGAGCTGGGTATATAGGTT	5228
125_135	5158	TACTGAGGATACAGCTGTTGTATAGCACTGTAAAGTAAAGTCCACTGTACTATGGACA	5133
US_Col_5203		TACTGAGGATACAGCTGTTTAAAGCTGTAAAGTAAAGTCCACTGTACTATGGACA	5263
125_135	5218	ACAATGTGACCTGCTCTGTTTAAATGACCGTTGCTACAGCAACAACAGCTGTTGTGTC	5223
US_Col_5263		ACAATGTGACCTGCTCTGTTTAAATGACCGTTGCTACAGCAACAACAGCTGTTGTGTC	5323
125_135	5278	TGATGTGTGTACAGTATGTTACCAAGTCTAATTTGGGATTCAGATATGGTTTGTATAA	5303
US_Col_5323		TGATGTGTGTACAGTATGTTACCAAGTCTAATTTGGGATTCAGATATGGTTTGTATAA	5403
125_135	5338	GGCTGGTAGGTTCCACAAGTACAGGCTGCTGCTGCTTCTCTAGTGGATGTATAA	5313
US_Col_5383		GGCTGGTAGGTTCCACAAGTACAGGCTGCTGCTGCTTCTCTAGTGGATGTATAA	5443
125_135	5398	CGGTAAGGCTGTCTTAAAGCAGAGTAACTGCTGGGTTAGTGTATAGTGTATACA	5413
US_Col_5443		CGGTAAGGCTGTCTTAAAGCAGAGTAACTGCTGGGTTAGTGTATAGTGTATACA	5503
125_135	5458	ATTACATGTTCTGGATTAAGGTCAGCTACAGAGGCTACAGAGTATGGAGTGCTCTA	5513
US_Col_5503		ATTACATGTTCTGGATTAAGGTCAGCTACAGAGGCTACAGAGTATGGAGTGCTCTA	5563

【 図 2 - 8 】

FIG. 2 (cont'd)

125_135	0479	TAGGCTGTTCTCTCATGGTACACAGAACTTTGGACCTCTCTCAACACAAAGCTATGATG	0633
US_col_0523		TAAAGGCTGTGTTCTTAGGTGACACAGAACTTTGGACCTCTCTCAACACAAAGCTATGATG	
125_138	0516	GCACAACTTACAGAACTATATAGGTAATGTATGATGCTTCTTATTTAGGACATCTT	0659
US_col_0583		GCACAACTTACAGAACTATATAGGTAATGTATGATGCTTCTTATTTAGGACATCTT	
125_139	0596	GCAGATTTGGGGGGTTTATATGTAAGAGCTATTATCTCACTTTATTTTCAGCTATCT	0644
US_col_0643		GCAGATTTTTGGGGGGTTTATGTAAGAGCTATTATCTCACTTTATTTTCAGCTATCT	
125_160	0658	TAACTACATCTGCTGTCTTTGGGGCTACACAGATCCATTTGGGTTTTCGACGATCTGGCC	0673
US_col_0783		TAACTACATCTGCTGTCTTTGGGGCTACACAGATCCATTTGGGTTTTCGACGATCTGGCC	
125_163	0718	TTTGAATCTCTTGCTGACAGATCTGATCTGCTTTTCACTGCTACAGCGGTATATGATCT	0677
US_col_0763		TTTGAATCTCTTGCTGACAGATCTGATCTGCTTTTCACTGCTACAGCGGTATATGATCT	
125_165	0779	CTCTTAAGCATCTCTCTTGCTGGCTGACATGCACTCTGTGTGGCTCTTGAGTGCGT	0683
US_col_0823		CTCTTAAGCATCTCTCTTGCTGGCTGACATGCACTCTGTGTGGCTCTTGAGTGCGT	
125_168	0830	TGCGCTTAATGCGCTCTGCTCCAACTATGCTGCTGCTGCTGACCAATCACTCTGATCT	0689
US_col_0883		TGCGCTTAATGCGCTCTGCTCCAACTATGCTGCTGCTGCTGACCAATCACTCTGATCT	
125_169	0898	TACGCTTAAGCGGCTCTGCTCCAACTATGCTTCTTCAGGAGCTATAGCAAGCTATCTACGT	0694
US_col_0943		TACGCTTAAGCGGCTCTGCTCCAACTATGCTTCTTCAGGAGCTATAGCAAGCTATCTACGT	
125_180	0898	ATCAGCCATCTGGTGCTCTTAAGTCTGTATGAGAGCACAACTTTCTTGTTAAATTTGA	0695
US_col_0943		ATCAGCCATCTGGTGCTCTTAAGTCTGTATGAGAGCACAACTTTCTTGTTAAATTTGA	
125_181	0954	TCTTAAGGTCAGGCTGCATTTTATTAATGACGCTATCGACGAGGTTGTAAATGTG	0703
US_col_0903		TCTTAAGGTCAGGCTGCATTTTATTAATGACGCTATCGACGAGGTTGTAAATGTG	
125_182	0918	TCTTAAGGTCAGGCTGCATTTTATTAATGACGCTATCGACGAGGTTGTAAATGTG	0703
US_col_0903		TCTTAAGGTCAGGCTGCATTTTATTAATGACGCTATCGACGAGGTTGTAAATGTG	
125_183	0918	TCTTAAGGTCAGGCTGCATTTTATTAATGACGCTATCGACGAGGTTGTAAATGTG	0703
US_col_0903		TCTTAAGGTCAGGCTGCATTTTATTAATGACGCTATCGACGAGGTTGTAAATGTG	
125_184	0979	CAGTAATGGTTTACTACTATTAATGAGTGCACATCTTGGAGATACAGCTTGAATCT	0713
US_col_1123		CAGTAATGGTTTACTACTATTAATGAGTGCACATCTTGGAGATACAGCTTGAATCT	
125_190	1138	AACAGATACAAATACATCTGACAGAGATGCTTAAAATTTGTAGCATATACACAGATCT	0719
US_col_1183		AACAGATACAAATACATCTGACAGAGATGCTTAAAATTTGTAGCATATACACAGATCT	
125_191	1198	TATCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	0724
US_col_1243		TATCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	
125_192	1258	TCACAGATGCTTTTAAAGCTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	0731
US_col_1303		TCACAGATGCTTTTAAAGCTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	
125_193	1314	TGTGATTTTGGTGGACGATACATGATGCTTTTGTATGCTGTGTGATGATGATGATGATG	0737
US_col_1363		TGTGATTTTGGTGGACGATACATGATGCTTTTGTATGCTGTGTGATGATGATGATGATG	

【 図 2 - 9 】

FIG. 2 (cont'd)

125_10 7378 CAAGACCTGTGCAAGTGTGAAGACATCAGAGATTGCAAGAGACATTTGGGTTTGTATGA 7437
 US_Col 7423 CAAGACCTGTGCAAGTGTGAAGACATCAGAGATTGCAAGAGACATTTGGGTTTGTATGA 7482
 125_10 7438 TGTACATTTGATACCTTTAATGCTGTGTGCTGAGGCTCATGTGCTAGTGTCTCTTT 7497
 US_Col 7483 TGTACATTTGATACCTTTAATGCTGTGTGCTGAGGCTCATGTGCTAGTGTCTCTTT 7542
 125_10 7498 GACTGATGTGTGTGCAATTTTACCAAGTATTGCAAAACAGAGAGAAATCTCC 7557
 US_Col 7543 GACTGATGTGTGTGCAATTTTACCAAGTATTGCAAAACAGAGAGAAATCTCC 7602
 125_10 7558 GGTCTATGACATTTGCCAGGTGTATGGTGTAGGTGCCAAGATTGTATATCATAGGTTCT 7617
 US_Col 7603 GGTCTATGACATTTGCCAGGTGTATGGTGTAGGTGCCAAGATTGTATATCATAGGTTCT 7662
 125_10 7618 TGTCAAGAGATGATATACCTGTGTGTGGCTGTATCGATGATTTCAATTCGCTTCTCGAAG 7677
 US_Col 7663 TGTCAAGAGATGATATACCTGTGTGTGGCTGTATCGATGATTTCAATTCGCTTCTCGAAG 7722
 125_10 7678 AACTAGGAAGTACATTATGCTACGACTAAAGTTAAGGGTATACCTTCAATGTGACCTT 7737
 US_Col 7723 AACTAGGAAGTACATTATGCTACGACTAAAGTTAAGGGTATACCTTCAATGTGACCTT 7782
 125_10 7738 TAATGATGTGTGTGATACCTACCTACCTACCTGTGTGATGATGCAATTAAGAAGGGTGC 7797
 US_Col 7783 TAATGATGTGTGTGATACCTACCTACCTACCTGTGTGATGATGCAATTAAGAAGGGTGC 7842
 125_10 7798 AGGTCTCTCCAGTTTCAAGGTATGAAGAATCTTCTGGTTTGTGTGCTGTATGAT 7857
 US_Col 7843 AGGTCTCTCCAGTTTCAAGGTATGAAGAATCTTCTGGTTTGTGTGCTGTATGAT 7902
 125_10 7858 TGTGCTTCTTCTGCTACAGCTTTTGTGTTTATGATCTCAAGTTAAGGATGATGATGA 7917
 US_Col 7903 TGTGCTTCTTCTGCTACAGCTTTTGTGTTTATGATCTCAAGTTAAGGATGATGATGA 7962
 125_10 7918 TTAGTGTCTCAGATATATGAGAGTGGCCAGTTGAAGACTTTGAGACTTCACTTATGTT 7977
 US_Col 7963 TTAGTGTCTCAGATATATGAGAGTGGCCAGTTGAAGACTTTGAGACTTCACTTATGTT 8022
 125_10 7978 TGTGATATGTGTGTTAGTAACTGCAACAGTGGCAGTGTGCAAGTTTGTGTTCACTCC 8037
 US_Col 8023 TGTGATATGTGTGTTAGTAACTGCAACAGTGGCAGTGTGCAAGTTTGTGTTCACTCC 8082
 125_10 8038 GGTCAACATCTAGTGTCTTATGTTGTGTGTTGATGATGCAAGAGGCTGCTGCTCC 8097
 US_Col 8083 GGTCAACATCTAGTGTCTTATGTTGTGTGTTGATGATGCAAGAGGCTGCTGCTCC 8142
 125_10 8098 AGGTATCTCCAGCAGGTGTGTTTATGTTGATGATGCAAGTGTGTTTGTGTTTATGATCA 8157
 US_Col 8143 AGGTATCTCCAGCAGGTGTGTTTATGTTGATGATGCAAGTGTGTTTGTGTTTATGATCA 8202
 125_10 8158 TTTTGTGATGATGTTTGTGTTTGTGTTTGTGTTTGTGTTTGTGTTTGTGTTTGTGTTT 8217
 US_Col 8203 TTTTGTGATGATGTTTGTGTTTGTGTTTGTGTTTGTGTTTGTGTTTGTGTTTGTGTTT 8262
 125_10 8218 TTTTAACTGGCTGCTACACATATCTGTTTGGTGAAGCTGCTGCTACTGTTATGA 8277
 US_Col 8263 TTTTAACTGGCTGCTACACATATCTGTTTGGTGAAGCTGCTGCTACTGTTATGA 8322
 125_10 8278 GAATGCTGATGTTGAGGTGCTAAAGTTTATAGTGAAGTGGCACTATAGTACTATGA 8337
 US_Col 8323 GAATGCTGATGTTGAGGTGCTAAAGTTTATAGTGAAGTGGCACTATAGTACTATGA 8382

【 図 2 - 1 1 】

FIG. 2 (cont'd)

125_10 6638 GGTGGCTTGGTAAAGTGGCAACCACTGTGTGTGTGAGAGTGAATGTTGTGTT 6697
 US_Col 6693 GGTGGCTTGGTAAAGTGGCAACCACTGTGTGTGTGTGAGAGTGAATGTTGTGTT 9342
 125_10 6698 TTGCTATGTTATATGCTTCTTAATGCTATGCTGTGTGATGATGTTATGCTGCAAG 9357
 US_Col 9343 TTGCTATGTTATATGCTTCTTAATGCTATGCTGTGTGATGATGTTATGCTGCAAG 9402
 125_10 9358 CGATGTTATGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 9417
 US_Col 9403 CGATGTTATGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 9462
 125_10 9418 AGGCTGCAACCTTCTGATTTCACTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 9477
 US_Col 9463 AGGCTGCAACCTTCTGATTTCACTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 9522
 125_10 9478 CATGAGAGTGTGTTTGTGCAAGTAAAGTTAATCAACAAAGTGTGCAAGGCTTAAAGTA 9537
 US_Col 9523 CATGAGAGTGTGTTTGTGCAAGTAAAGTTAATCAACAAAGTGTGCAAGGCTTAAAGTA 9582
 125_10 9538 CACTATGCAAGTATGAGCAGGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 9597
 US_Col 9583 CACTATGCAAGTATGAGCAGGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 9642
 125_10 9598 TGTACGCTGTGTTTACGCGGTAAATGCGCTCAATTAACATATGAGGCTGCTGATCA 9657
 US_Col 9643 TGTACGCTGTGTTTACGCGGTAAATGCGCTCAATTAACATATGAGGCTGCTGATCA 9702
 125_10 9658 TAATGGGCTGTGTTGCTACCTGTTATACATTAACATTAACATTAACATTAACATTAACAT 9717
 US_Col 9703 TAATGGGCTGTGTTGCTACCTGTTATACATTAACATTAACATTAACATTAACATTAACAT 9762
 125_10 9718 TTTACCAAGCTGTGATCTTGTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 9777
 US_Col 9763 TTTACCAAGCTGTGATCTTGTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 9822
 125_10 9778 GTATGCTGTTTATGAGGAGCAACCTTCTTGGCAATTGAGGAGGCTGATGATGATGATGAT 9837
 US_Col 9823 GTATGCTGTTTATGAGGAGCAACCTTCTTGGCAATTGAGGAGGCTGATGATGATGATGATGAT 9882
 125_10 9838 AGAGATGTTGTTGCTGATTTCTTATGCAAGCTCAATTAATGTTCTTACCTGTTGCTGAT 9897
 US_Col 9883 AGAGATGTTGTTGCTGATTTCTTATGCAAGCTCAATTAATGTTCTTACCTGTTGCTGAT 9942
 125_10 9898 TTTCTTACGATGCTGTGATGAGAGGTTTAAAGTGGGCTGATGATGATGATGATGATGATGAT 9957
 US_Col 9943 TTTCTTACGATGCTGTGATGAGAGGTTTAAAGTGGGCTGATGATGATGATGATGATGATGAT 10002
 125_10 9958 AGTATTAATACGATGCTTCTTATGATGCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 10017
 US_Col 10003 AGTATTAATACGATGCTTCTTATGATGCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 10062
 125_10 10018 TTTGTGGCTCAATCAAGCTGCTGATGAGGTTTGTGAGGAGGCTGATGATGATGATGATGAT 10077
 US_Col 10063 TTTGTGGCTCAATCAAGCTGCTGATGAGGTTTGTGAGGAGGCTGATGATGATGATGATGAT 10122
 125_10 10078 TACTGTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 10137
 US_Col 10123 TACTGTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 10182
 125_10 10138 TCTTACGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 10197
 US_Col 10183 TCTTACGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 10242

【 図 2 - 1 0 】

FIG. 2 (cont'd)

125_10 8338 AATGTTAGATGTTAATGCTGTGTTTACCTGAAATATCTCACGCGGCTTGGCATCG 8397
 US_Col 8383 AATGTTAGATGTTAATGCTGTGTTTACCTGAAATATCTCACGCGGCTTGGCATCG 8442
 125_10 8398 TACTATCGGTACAAAGGCTATGACTTCTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 8457
 US_Col 8443 TACTATCGGTACAAAGGCTATGACTTCTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 8502
 125_10 8458 AGGTGTTGTTTGTGGGCGGATAGATCTTGTGTATATAGCAGATCTGCTGCTGCTGCT 8517
 US_Col 8503 AGGTGTTGTTTGTGGGCGGATAGATCTTGTGTATATAGCAGATCTGCTGCTGCTGCT 8562
 125_10 8518 TGTGTTGCTGCAAGGCTTCTTACATGTTGATGAGCTTATGATGTTTGTGCAAG 8577
 US_Col 8563 TGTGTTGCTGCAAGGCTTCTTACATGTTGATGAGCTTATGATGTTTGTGCAAG 8622
 125_10 8578 AGTACGAGTAACTGTTGTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 8637
 US_Col 8623 AGTACGAGTAACTGTTGTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 8682
 125_10 8638 TGTGCTGCTGCTTCTTATTTACAAAGTTAAGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 8697
 US_Col 8683 TGTGCTGCTGCTTCTTATTTACAAAGTTAAGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 8742
 125_10 8698 GGTGTTTACCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 8757
 US_Col 8743 GGTGTTTACCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 8802
 125_10 8758 CACACTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 8817
 US_Col 8803 CACACTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 8862
 125_10 8818 TATGCTGATTTGGGCTTGGGATTTTGTGCTCATATATATATTTGCTGCTGCTGCTGCT 8877
 US_Col 8863 TATGCTGATTTGGGCTTGGGATTTTGTGCTCATATATATATTTGCTGCTGCTGCTGCT 8922
 125_10 8878 TTTGATGTTTATGCTTCTTACGCTTCTTGTGATTTATGCTGCTGCTTCTTATGCTGCT 8937
 US_Col 8863 TTTGATGTTTATGCTTCTTACGCTTCTTGTGATTTATGCTGCTGCTTCTTATGCTGCT 8982
 125_10 8938 GGTGTTTACCAACTTTTGGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 8997
 US_Col 8983 GGTGTTTACCAACTTTTGGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 9042
 125_10 8998 AGGTACATTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 9057
 US_Col 9043 AGGTACATTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 9102
 125_10 9058 AAAAACTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 9117
 US_Col 9103 AAAAACTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 9162
 125_10 9118 AGAGGCTGATACAGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 9177
 US_Col 9163 AGAGGCTGATACAGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 9222
 125_10 9178 TTTATGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 9237
 US_Col 9163 TTTATGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 9282

【 図 2 - 1 2 】

FIG. 2 (cont'd)

125_10 10198 GACTTCTTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10257
 US_Col 10243 GACTTCTTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10302
 125_10 10258 TGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10317
 US_Col 10293 TGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10362
 125_10 10258 GCTATGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10377
 US_Col 10363 GCTATGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10422
 125_10 10278 TAAATTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10337
 US_Col 10323 TAAATTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10382
 125_10 10278 TTTCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10397
 US_Col 10383 TTTCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10452
 125_10 10278 TTTCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10467
 US_Col 10383 TTTCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10522
 125_10 10278 TTTCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10537
 US_Col 10383 TTTCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10592
 125_10 10278 TTTCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10607
 US_Col 10383 TTTCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10662
 125_10 10278 TTTCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10677
 US_Col 10383 TTTCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10732
 125_10 10278 TTTCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10787
 US_Col 10383 TTTCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10842
 125_10 10278 TTTCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10897
 US_Col 10383 TTTCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10952
 125_10 10278 TTTCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 10967
 US_Col 10383 TTTCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 11022
 125_10 10278 TTTCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 11077
 US_Col 10383 TTTCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 11132
 125_10 10278 TTTCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 11187
 US_Col 10383 TTTCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 11242

【図 2 - 1 3】

FIG. 2 (cont'd)

125_10 11898 GATCAACTTGTGTATGACCCAGAAAAGCCAGGAAATGCTACTTCTTTGTGGCATTT 11517
125_col 11143 GATCAACTTGTGTGTATGACCCAGAAAAGCCAGGAAATGCTACTTCTTTGTGGCATTT 11282
125_10 11158 TTTCTTAGTAGAATAGTCTTTTGGTTAGTAGACTTATTGGAGCATCTATTAAATGA 11217
125_col 11203 TTTCTTAGTAGAATAGTCTTTTGGTTAGTAGACTTATTGGAGCATCTATTAAATGA 11262
125_10 11218 CAATAGATATGTTGCAGAGTGTGGATCTACTTATGTGCGTTGGCTCTTATGTCTATTTA 11277
125_col 11263 CAATAGATATGTTGCAGAGTGTGGATCTACTTATGTGCGTTGGCTCTTATGTCTATTTA 11322
125_10 11278 TGAATATGACCCAGCAGATAGAGATGCTGTAAATATGGTTCTCCACCTCAGTGTGGT 11337
125_col 11323 TGAATATGACCCAGCAGATAGAGATGCTGTAAATATGGTTCTCCACCTCAGTGTGGT 11382
125_10 11338 TAAAGCAATTCGCCATGCCATGAATGTAGCAAGAGCGAATTTGACGTGGAGGCTCTAC 11397
125_col 11383 TAAAGCAATTCGCCATGCCATGAATGTAGCAAGAGCGAATTTGACGTGGAGGCTCTAC 11442
125_10 11398 TCAAGCTAAGCTGTATAGAAATGGCAGAGGCTGCAGCACAGATGATCAAGAGAGCAG 11457
125_col 11443 TCAAGCTAAGCTGTATAGAAATGGCAGAGGCTGCAGCACAGATGATCAAGAGAGCAG 11502
125_10 11458 AGCAGTAAATAGGAAGTCCAAAGTTGTAAAGTGTCTATGCACTCACTCTTTTGGTATGTT 11517
125_col 11503 AGCAGTAAATAGGAAGTCCAAAGTTGTAAAGTGTCTATGCACTCACTCTTTTGGTATGTT 11562
125_10 11518 GAGAGCTTTGGACATCTCTTCTGTAGACCACTTCTCAACTTGGCAAGAGATGGGGTGT 11577
125_col 11563 GAGAGCTTTGGACATCTCTTCTGTAGACCACTTCTCAACTTGGCAAGAGATGGGGTGT 11622
125_10 11578 ACCCTCTGTGTATACAGGAGATCAGTGTAGTGTCTATGCACTCACTCTTTTGGTATGTT 11637
125_col 11623 ACCCTCTGTGTATACAGGAGATCAGTGTAGTGTCTATGCACTCACTCTTTTGGTATGTT 11682
125_10 11638 CGATTCTATATATGATTCAGCGTGAAGGATGTGTCCACAGCTGGTACCATTTGGAA 11697
125_col 11683 CGATTCTATATATGATTCAGCGTGAAGGATGTGTCCACAGCTGGTACCATTTGGAA 11742
125_10 11698 TATATATGATATCAAGAGCAATATGCAAGAGTGTGTACAGTGAAGAGATGAACGCCACA 11757
125_col 11743 TATATATGATATCAAGAGCAATATGCAAGAGTGTGTACAGTGAAGAGATGAACGCCACA 11802
125_10 11758 GAATGTAGTCTCTCTGTATGAGCCCTGTGCTTGGAGTGTAGAGTATTGTCAAGTCCA 11817
125_col 11803 GAATGTAGTCTCTCTGTATGAGCCCTGTGCTTGGAGTGTAGAGTATTGTCAAGTCCA 11862
125_10 11818 GAATATGAAATTTATCCGTGGAGAGCAGCAGCTCCATTAAGGCAAGAGAGAGAG 11877
125_col 11863 GAATATGAAATTTATCCGTGGAGAGCAGCAGCTCCATTAAGGCAAGAGAGAGAG 11922
125_10 11878 CATAGTTGAGAGAGTGAAGCATTTACAAATAGAGGAGTGGAGCTACTTTTATGTATGC 11937
125_col 11923 CATAGTTGAGAGAGTGAAGCATTTACAAATAGAGGAGTGGAGCTACTTTTATGTATGC 11982
125_10 11938 TTTCACTTCGGCAACACCGAGCTCGGTGTAGTCAAGTGGAGGATGTGATGTGGTTGAA 11997
125_col 11983 TTTCACTTCGGCAACACCGAGCTCGGTGTAGTCAAGTGGAGGATGTGATGTGGTTGAA 12042
125_10 11998 CACTATGAGCTAGAACACACAGTGAAGTCTTGGTGGATCTCTTAATGTGTSCAGAGAT 12057
125_col 12043 CACTATGAGCTAGAACACACAGTGAAGTCTTGGTGGATCTCTTAATGTGTSCAGAGAT 12102

【図 2 - 1 5】

FIG. 2 (cont'd)

125_10 12958 AGCATTTTAAATTAAGTAGGCGCTGTGTAGGAGTCTACTTCAATATAAAGCTGTGTT 13817
125_col 13863 AGCATTTTAAATTAAGTAGGCGCTGTGTAGGAGTCTACTTCAATATAAAGTGTGTT 13862
125_10 13818 GACCTTTGTGAAATGAAGCAATCATGCTGTATGATGTATGATGATACCATTTGTTC 13877
125_col 13863 GACCTTTGTGAAATGAAGCAATCATGCTGTATGATGTATGATGATACCATTTGTTC 13122
125_10 13878 GTGCTATGCTTTAAATGTGTTAAGTCTGTGTATGCAATGGTTGAACAGATATAGTTGGT 13137
125_col 13123 GTGCTATGCTTTAAATGTGTTAAGTCTGTGTATGCAATGGTTGAACAGATATAGTTGGT 13182
125_10 13138 GTTGTGACATAGATATCAGGATCTTAAGTGGATTTTATGATTTGGTGTATTACT 13197
125_col 13183 GTTGTGACATAGATATCAGGATCTTAAGTGGATTTTATGATTTGGTGTATTACT 13242
125_10 13198 TGTAGCATCAAGGGAATGGGTATACCATTTGCAATCATATATACTTATATATGATGCT 13257
125_col 13243 TGTAGCATCAAGGGAATGGGTATACCATTTGCAATCATATATACTTATATATGATGCT 13302
125_10 13258 GTTATGGGTATGACTAATTTGCTGTAGTGTAGTGTGTTTGTAAAGATGATATTTGGT 13317
125_col 13303 GTTATGGGTATGACTAATTTGCTGTAGTGTAGTGTGTTTGTAAAGATGATATTTGGT 13362
125_10 13318 GAGATTTCAAGTCAATAGCAGCTGTGATATGATTTCAAGGAGATAGACAGCACTC 13377
125_col 13363 GAGATTTCAAGTCAATAGCAGCTGTGATATGATTTCAAGGAGATAGACAGCACTC 13422
125_10 13378 TTCAAGAGATTTTCAAGTATTTGGAGCTGCAATACACCTTACTGTGTGGAGTGCAGT 13437
125_col 13423 TTCAAGAGATTTTCAAGTATTTGGAGCTGCAATACACCTTACTGTGTGGAGTGCAGT 13482
125_10 13438 GATGAGCAGTGCAGATGTTTACGTCAGTGTGCTTCAATAGTGTGTTTCCACTATATCT 13497
125_col 13483 GATGAGCAGTGCAGATGTTTACGTCAGTGTGCTTCAATAGTGTGTTTCCACTATATCT 13542
125_10 13498 ATTACGGATTTGGACCTTTGTGTGCGAGTGTGTGATGTGATGGTTTCCAGTGGTAACT 13557
125_col 13543 ATTACGGATTTGGACCTTTGTGTGCGAGTGTGTGATGTGATGGTTTCCAGTGGTAACT 13602
125_10 13558 ACAGTGTGTTATCATTTTAAACAGTATGATATGTTGGAACATGAGCTCAACTATAC 13617
125_col 13603 ACAGTGTGTTATCATTTTAAACAGTATGATATGTTGGAACATGAGCTCAACTATAC 13662
125_10 13618 TCTAGAGGCTCTCTATTAAACAGATTTACTCCAGTTTGTAGTGTATGCTGATGCTTATA 13677
125_col 13663 TCTAGAGGCTCTCTATTAAACAGATTTACTCCAGTTTGTAGTGTATGCTGATGCTTATA 13722
125_10 13678 GCATCATCACAGCCCTTGTGTAGCAGTACTGTTTGGTTTCAAGTGTGAGCAGTATG 13737
125_col 13723 GCATCATCACAGCCCTTGTGTAGCAGTACTGTTTGGTTTCAAGTGTGAGCAGTATG 13782
125_10 13738 ACAGGTATGACTAACAGACTGTAAACGGCATTCTCAATAGAGAGTTTATGACTTC 13797
125_col 13783 ACAGGTATGACTAACAGACTGTAAACGGCATTCTCAATAGAGAGTTTATGACTTC 13842
125_10 13798 TTACTTGAAGAGGTTTCTTTTGGAGGCTCTAGCTTACTTAAAGCACTTCTTCTTT 13857
125_col 13843 TTACTTGAAGAGGTTTCTTTTGGAGGCTCTAGCTTACTTAAAGCACTTCTTCTTT 13902
125_10 13858 GCACAGAGGTTGATGACAGCTGTAAAGATTTGATCACTATAGTAAATATAGACCTACT 13917
125_col 13903 GCACAGAGGTTGATGACAGCTGTAAAGATTTGATCACTATAGTAAATATAGACCTACT 13962

【図 2 - 1 4】

FIG. 2 (cont'd)

125_10 12858 CAGTATCTCTACTTTTGTGTGAACCTTAACAGCTTACGTAGGAGTGTCTTCTCGGCTA 12317
125_col 12183 CAGTATCTCTACTTTTGTGTGAACCTTAACAGCTTACGTAGGAGTGTCTTCTCGGCTA 12162
125_10 12118 CATAGGTGCGCATGTAGCGTTGCGAGCTGTGAAACAAACAGACAGAGCTATTAACCTTC 12177
125_col 12163 CATAGGTGCGCATGTAGCGTTGCGAGCTGTGAAACAAACAGACAGAGCTATTAACCTTC 12222
125_10 12178 ATTGTGTGACACTTTGGCGTTTCCGTTGTGATGCTGCTAGAGACATACATGATGCTGCA 12237
125_col 12223 ATTGTGTGACACTTTGGCGTTTCCGTTGTGATGCTGCTAGAGACATACATGATGCTGCA 12282
125_10 12238 AAGTGTGCAACACAGTATGATGCTGTATGATGTTTGGCCAAATGTTTGTGATATG 12297
125_col 12283 AAGTGTGCAACACAGTATGATGCTGTATGATGTTTGGCCAAATGTTTGTGATATG 12342
125_10 12298 ACAAGCTGTACTAAATGTTGTGAGAGCTATGACTAACAGGATTCATACGGTGGTGGCTC 12357
125_col 12343 ACAAGCTGTACTAAATGTTGTGAGAGCTATGACTAACAGGATTCATACGGTGGTGGCTC 12402
125_10 12358 CGTGTGTCTATTTGTAGACACATGTTGAGCATCTTATGATGATGTTTGTGAGAT 12417
125_col 12403 CGTGTGTCTATTTGTAGACACATGTTGAGCATCTTATGATGATGTTTGTGAGAT 12462
125_10 12418 GAAAGCAAGTACGTACAGCTTCACTAGGTACAGTGGATCTTATAGCTTTTGTACTGA 12477
125_col 12463 GAAAGCAAGTACGTACAGCTTCACTAGGTACAGTGGATCTTATAGCTTTTGTACTGA 12522
125_10 12478 GAATGACCTTTGCAAGTTTGTGTTTGTGCGTGGCTAAATGCTGCTATGTCAGAGAT 12537
125_col 12523 GAATGACCTTTGCAAGTTTGTGTTTGTGCGTGGCTAAATGCTGCTATGTCAGAGAT 12582
125_10 12538 CATATGAAAGACATGATATGGCTTATTAAGAGATACGGGGCTTAGTGCGAGCTCGA 12597
125_col 12583 CATATGAAAGACATGATATGGCTTATTAAGAGATACGGGGCTTAGTGCGAGCTCGA 12642
125_10 12598 CTAGAGCCCTGTAAAGCTACTGATACACACATGTGTATGCTGCTTTGACATCTACA 12657
125_col 12643 CTAGAGCCCTGTAAAGCTACTGATACACACATGTGTATGCTGCTTTGACATCTACA 12702
125_10 12658 AAGGATGTTGCTTCTTCAAGTAAATCTTCAAGGTGAAGTGTGTTGCTGCTGAGAGATTTG 12717
125_col 12703 AAGGATGTTGCTTCTTCAAGTAAATCTTCAAGGTGAAGTGTGTTGCTGCTGAGAGATTTG 12762
125_10 12718 GATAGCATGATGCTATCTATGTTGTCAAAAGATGTCACAAAGTGTGATGAGAGCAGAG 12777
125_col 12763 GATAGCATGATGCTATCTATGTTGTCAAAAGATGTCACAAAGTGTGATGAGAGCAGAG 12822
125_10 12778 CAATCCATCTATAGCAGATGTGAAAGGTGTGAGCCGTAGCCAGACAGATTTTCTACT 12837
125_col 12823 CAATCCATCTATAGCAGATGTGAAAGGTGTGAGCCGTAGCCAGACAGATTTTCTACT 12882
125_10 12838 TGAAGAGATGTTGCTGCTACTATGATGAGCTTTTGAAGAGATCTTACAGGATATAT 12897
125_col 12883 TGAAGAGATGTTGCTGCTACTATGATGAGCTTTTGAAGAGATCTTACAGGATATAT 12942
125_10 12898 ATGATGATGTTTGTGCTAGCTTTAGCTAACTTTGATGAAAGAACTTGTGATGTTCTTAAG 12957
125_col 12943 ATGATGATGTTTGTGCTAGCTTTAGCTAACTTTGATGAAAGAACTTGTGATGTTCTTAAG 13002

【図 2 - 1 6】

FIG. 2 (cont'd)

125_10 13918 GTTCTGAGCATTTGCCAGCTCGCTGTGTATCAATATGTCAGAGCTATTTGATATTT 13977
125_col 13963 GTTCTGAGCATTTGCCAGCTCGCTGTGTATCAATATGTCAGAGCTATTTGATATTT 14022
125_10 13978 TACAGAGTGTGTTGATCACTGCTAAAGAGGTGTTGTACAACCTTAACAGAGGCGCA 14037
125_col 14023 TACAGAGTGTGTTGATCACTGCTAAAGAGGTGTTGTACAACCTTAACAGAGGCGCA 14082
125_10 14038 GGTATCCCTTGAACAGTTTGGTAAAGTGGTCTTACTATGATGTTTATCTATATGAG 14097
125_col 14083 GGTATCCCTTGAACAGTTTGGTAAAGTGGTCTTACTATGATGTTTATCTATATGAG 14142
125_10 14098 GAACAGATGAGCTTTATGCTTATAGCTAAGCTAAGCTTCCGCCACTATGACAGAGCT 14157
125_col 14143 GAACAGATGAGCTTTATGCTTATAGCTAAGCTAAGCTTCCGCCACTATGACAGAGCT 14202
125_10 14158 AACCTTAATATGCTATAGTGGCAAGAGCTGACAGCAGAGTGGTGGTGTTCGCTT 14217
125_col 14203 AACCTTAATATGCTATAGTGGCAAGAGCTGACAGCAGAGTGGTGGTGTTCGCTT 14262
125_10 14218 TTGTCAACATGACTACTGCGAGTATCATAGAAACACCTTAAGTCTATGATATATCT 14277
125_col 14263 TTGTCAACATGACTACTGCGAGTATCATAGAAACACCTTAAGTCTATGATATATCT 14322
125_10 14278 AGGGGCTGCTGGTGTGTTATGATGACTAAGTTTATGATGTTGGAGCAATATGCTT 14337
125_col 14323 AGGGGCTGCTGGTGTGTTATGATGACTAAGTTTATGATGTTGGAGCAATATGCTT 14382
125_10 14338 AAGAACCTTATGATGTTGTTGAAATCGTGTCTTATGGGTGGAGCATCCAAAGTGC 14397
125_col 14383 AAGAACCTTATGATGTTGTTGAAATCGTGTCTTATGGGTGGAGCATCCAAAGTGC 14442
125_10 14398 GACAGAGCACTGCCCAATGATAGCTATGATTTGAGCAATGATTTAGGCTCTAGAGC 14457
125_col 14443 GACAGAGCACTGCCCAATGATAGCTATGATTTGAGCAATGATTTAGGCTCTAGAGC 14502
125_10 14458 ACCAATGCTGAGTTCCACTGAGCGCTTTTCAAGTTGTGCAATGATTTGCTGAGCTC 14517
125_col 14503 ACCAATGCTGAGTTCCACTGAGCGCTTTTCAAGTTGTGCAATGATTTGCTGAGCTC 14562
125_10 14518 CTACTGAGGTTTATCTAATGAGGTTTATTTAAGGCAAGGTGGTACTACCTCT 14577
125_col 14563 CTACTGAGGTTTATCTAATGAGGTTTATTTAAGGCAAGGTGGTACTACCTCT 14622
125_10 14578 GGTGATGCAACAGCAGTATGCAAACTGATTTTATATCTCTCAAGCAGTAAGTGCC 14637
125_col 14623 GGTGATGCAACAGCAGTATGCAAACTGATTTTATATCTCTCAAGCAGTAAGTGCC 14682
125_10 14638 AATGTTAAGAACTTCTTAGTGTGACAGCAATGCTGTCTATTAATTAAGAGTTAAGCAA 14697
125_col 14683 AATGTTAAGAACTTCTTAGTGTGACAGCAATGCTGTCTATTAATTAAGAGTTAAGCAA 14742
125_10 14698 TTGACAGTTAAGCTTTTAGTGTGCTGTTATAGATCAATACCTGCTGATGAGGCTTGCT 14757
125_col 14743 TTGACAGTTAAGCTTTTAGTGTGCTGTTATAGATCAATACCTGCTGATGAGGCTTGCT 14802
125_10 14758 GTTGAATGATATGGTACTTGGGTAAACATTTTCAATGATGATTTCTTGTATGATG 14817
125_col 14803 GTTGAATGATATGGTACTTGGGTAAACATTTTCAATGATGATTTCTTGTATGATG 14862

【 図 2 - 1 8 】

FIG. 2 (cont'd)

125_10	15778	GTGCACACACACAGAGGTGTGTAGCAGCTAAGAGGTGTGTCCTCAATGGAGAGTGGG	15937
US_Col_15823	15782	GTGCACACACACAGAGGTGTGTAGCAGCTAAGAGGTGTGTCCTCAATGGAGAGTGGG	15982
125_10	15818	AGGCCCAACCAACCCCTCTATAAAGATTTCTTCTTCTGATTCATATGATCAAGAACG	15918
US_Col_15883	15822	AGGCCCAACCAACCCCTCTATAAAGATTTCTTCTTCTGATTCATATGATCAAGAACG	15962
125_10	15898	ACCAAAATTCAAATCGGTGAGTTTGTGTGTGTAAGAGAGCGAATATGATATGATGCTGTA	15954
US_Col_15943	15902	ACCAAAATTCAAATCGGTGAGTTTGTGTGTGTAAGAGAGCGAATATGATATGATGCTGTA	16002
125_10	15958	AGATATAAACATACCGGACCAACAACAACTGTCTCCGGCAGGGTTTGTGCTACCTAC	16018
US_Col_16063	15962	AGATATAAACATACCGGACCAACAACAACTGTCTCCGGCAGGGTTTGTGCTACCTAC	16062
125_10	16018	CATATGTTTCAGCATCTGGCGGACCGACATCTCTATCAAGAGCATTTCCACATATA	16077
US_Col_16063	16022	CATATGTTTCAGCATCTGGCGGACCGACATCTCTATCAAGAGCATTTCCACATATA	16122
125_10	16078	CATAAAGTGTGAGCTCTCTGTACCAACTCAGCAAGCTATTTCATCTAGTCCGCTGAT	16132
US_Col_16123	16082	CATAAAGTGTGAGCTCTCTGTACCAACTCAGCAAGCTATTTCATCTAGTCCGCTGAT	16182
125_10	16138	CAATTGATGTGACGACAGAGATTAACCAATCTTCAAGGACCTCCCGGTAGTGGTAAATCT	16192
US_Col_16183	16142	CAATTGATGTGACGACAGAGATTAACCAATCTTCAAGGACCTCCCGGTAGTGGTAAATCT	16242
125_10	16198	CACGTGTGTTAAGGGTCAAGTGTGTACTACATCAGTGCAGCTATAGTGTTCACAGTGT	16207
US_Col_16243	16202	CACGTGTGTTAAGGGTCAAGTGTGTACTACATCAGTGCAGCTATAGTGTTCACAGTGT	16252
125_10	16258	TCTCATGCAGCGGTGGATACACCTTTGTGTGTGTAAGAGCTCCATCTGTATAGCAATGAA	16312
US_Col_16303	16262	TCTCATGCAGCGGTGGATACACCTTTGTGTGTGTAAGAGCTCCATCTGTATAGCAATGAA	16362
125_10	16318	TGTTCACGACATATACCAACGAGCGGCTCGCTGTGATGTATGATGGTATTCAGGATCTAA	16327
US_Col_16363	16322	TGTTCACGACATATACCAACGAGCGGCTCGCTGTGATGTATGATGGTATTCAGGATCTAA	16422
125_10	16423	ATATAGTACGATCTACACCTTTCTTCTACGCTCAAGTGTTCAGGACGATAGATCGGAC	16432
US_Col_16473	16427	ATATAGTACGATCTACACCTTTCTTCTACGCTCAAGTGTTCAGGACGATAGATCGGAC	16482
125_10	16478	ATTGTGTGTTGGTGTAGAGGTGCTCATATGTCACAAATATATGATCTCTCTGTATAAATCG	16487
US_Col_16483	16482	ATTGTGTGTTGGTGTAGAGGTGCTCATATGTCACAAATATATGATCTCTCTGTATAAATCG	16542
125_10	16498	GGCAGCAACATAGGCAATATCATATGTGTGTGATGACCTTCAGACGCTGGTGCACCAATG	16557
US_Col_16543	16502	GGCAGCAACATAGGCAATATCATATGTGTGTGATGACCTTCAGACGCTGGTGCACCAATG	16602
125_10	16558	GTTATGTTTTCAGTGAGTACCTTGTGAAGCAAGGACATACAGCTGTGCTACCTGACAGCT	16617
US_Col_16603	16562	GTTATGTTTTCAGTGAGTACCTTGTGAAGCAAGGACATACAGCTGTGCTACCTGACAGCT	16662
125_10	16618	TGTGSCCTTAGGCTGATGTTTCTTCAGCAGATGTATCGCTGCTCTGCTGATGATGATG	16627
US_Col_16663	16622	TGTGSCCTTAGGCTGATGTTTCTTCAGCAGATGTATCGCTGCTCTGCTGATGATGATG	16722

【 図 2 - 2 0 】

FIG. 2 (cont'd)

125.125	17638	CTGGCCCAACTCTACAGACATAAATTTTGTGTGTGGGCTGGTGGTGGAGTTGGCA	17697
US_Col	17683	CTGGCCCAACTCTACAGACATAAATTTTGTGTGTGGGCTGGTGGTGGAGTTGGCA	17742
125.126	17639	ACTATGCGTATTGTTTGGAGATGGCAACAAAGAGTTGTGATTTGGTAGAGGTTGCT	17702
US_Col	17743	ACTATGCGTATTGTTTGGAGATGGCAACAAAGAGTTGTGATTTGGTAGAGGTTGCT	17787
125.126	17758	ACTGTTCACAAATGGCGGTCACACGATCGTGTGTTTCAACATAGCCCTTGGTGGTGG	17802
US_Col	17803	ACTGTTCACAAATGGCGGTCACACGATCGTGTGTTTCAACATAGCCCTTGGTGGTGG	17862
125.126	17818	TACCTGTATACCACTATCTGTATGATACAGCAAGGGGACACAGGAACTACTTACG	17877
US_Col	17863	TACCTGTATACCACTATCTGTATGATACAGCAAGGGGACACAGGAACTACTTACG	17922
125.126	17878	CTTAACTACGATCAGGACATGTATGATGATCAAAAAGGACGATGGGCTCTGTATGTC	17962
US_Col	17883	CTTAACTACGATCAGGACATGTATGATGATCAAAAAGGACGATGGGCTCTGTATGTC	17982
125.126	17938	ATAATAGCTGCGTGTCTGGCAATACATGACTTCTTGTCAAGAACTGTCACCTGATC	17997
US_Col	17983	ATAATAGCTGCGTGTCTGGCAATACATGACTTCTTGTCAAGAACTGTCACCTGATC	18042
125.126	17998	ACATACCTCAATTTATGGGTATGAGGCTGTTATTAATAAGAGCGGCGAATGTGCAATCA	18057
US_Col	18043	ACATACCTCAATTTATGGGTATGAGGCTGTTATTAATAAGAGCGGCGAATGTGCAATCA	18102
125.126	18058	CACACATATGCGTCAGTTCTTAAGTTATACACATCGAAGCACTATATGATATGGCAAT	18117
US_Col	18103	CACACATATGCGTCAGTTCTTAAGTTATACACATCGAAGCACTATATGATATGGCAAT	18162
125.126	18118	CTCAAGGGACATAGATGATGCCGATACAGGACATGTTTGGTTTTCGATTCATGAAAGAT	18177
US_Col	18163	CTCAAGGGACATAGATGATGCCGATACAGGACATGTTTGGTTTTCGATTCATGAAAGAT	18222
125.126	18178	ATATATCTATATGTCAAGACATGGAGTATGACTATATACACATGCCCAATTTGATGGG	18237
US_Col	18223	ATATATCTATATGTCAAGACATGGAGTATGACTATATACACATGCCCAATTTGATGGG	18282
125.126	18238	TGTGTGCTGTTTGGGATTCGATAGTATGACATGTCATCGAATTTCTTGCTGCTGTGCT	18297
US_Col	18283	TGTGTGCTGTTTGGGATTCGATAGTATGACATGTCATCGAATTTCTTGCTGCTGTGCT	18342
125.126	18298	TTTGATATCTGCTGTAGGTCACCATCAACTTGGAGGGTGTATATGGTGGTTCAGCTGAT	18357
US_Col	18343	TTTGATATCTGCTGTAGGTCACCATCAACTTGGAGGGTGTATATGGTGGTTCAGCTGAT	18402
125.126	18358	GTATATATATCAATCATCTATACACACCGGCTTTTGACAAAGCTTTTCTTACGATTTGAG	18417
US_Col	18403	GTATATATATCAATCATCTATACACACCGGCTTTTGACAAAGCTTTTCTTACGATTTGAG	18462
125.126	18418	CCATGCGAATTTTCTTTTATGATGATACGATGTGTCACAGCTTACAGAGATCCATTAAC	18477
US_Col	18463	CCATGCGAATTTTCTTTTATGATGATGATGATGTCACAGCTTACAGAGATCCATTAAC	18522
125.126	18478	TATGCTTCTTTAGGGCATGACTACTGATCAATCAATGATTTGGTGGTGGTGTCTGTG	18537
US_Col	18523	TATGCTTCTTTAGGGCATGACTACTGATCAATCAATGATTTGGTGGTGGTGTCTGTG	18582

【図 2 - 2 1】

FIG. 2 (cont'd)

```

125_10 18538 ACTAAGCATTTGCTATGTATCATACATATGTTAACTGCTACAACTCTTTACGTGGCG 18597
125_col 18583 AGTAAGCATTTGCTATGTATCATACATATGTTAACTGCTACAACTCTTTACGTGGCG 18642
125_10 18598 GGGCTTACTATTGGGCGCTACTTGGTGTGACACATAAATCTTGGGAGACATTAAGT 18657
125_col 18643 GGGCTTACTATTGGGCGCTACTTGGTGTGACACATAAATCTTGGGAGACATTAAGT 18692
125_10 18658 AACCAATTTGCAAGGTCTTGAGACATTCGTTTCAATGTGTGAAGAAGAGATCTTTGTT 18717
125_col 18703 AACCAATTTGCAAGGTCTTGAGACATTCGTTTCAATGTGTGAAGAAGAGATCTTTGTT 18762
125_10 18718 GGTGCGAAGGTGAACTTCTGTAGCTGGTGAATACAAAGGTGCTGTTAGAGATGGT 18777
125_col 18763 GGTGCGAAGGTGAACTTCTGTAGCTGGTGAATACAAAGGTGCTGTTAGAGATGGT 18822
125_10 18778 ACTGTGATCTCTTGTGTTTAAACAACAAGACATCAACACCACTAAGCTAGCTTTTGA 18837
125_col 18823 ACTGTGATCTCTTGTGTTTAAACAACAAGACATCAACACCACTAAGCTAGCTTTTGA 18882
125_10 18838 TTGTATGCCAAGCGTAAGGTAGGACACCCCACTATAGATCTACGTAACTTGGGT 18897
125_col 18883 TTGTATGCCAAGCGTAAGGTAGGACACCCCACTATAGATCTACGTAACTTGGGT 18942
125_10 18898 GTAGTTGTACATCTAAGTGTGCTTGTGGGACTAAGCCGAACTGCTACTACTCT 18957
125_col 18943 GTAGTTGTACATCTAAGTGTGCTTGTGGGACTAAGCCGAACTGCTACTACTCT 19002
125_10 18958 TTTACAAAGGATGTTTGTAAATATACGACTTGAAGGTGAGCTGTGACACTTTTGA 19017
125_col 19003 TTTACAAAGGATGTTTGTAAATATACGACTTGAAGGTGAGCTGTGACACTTTTGA 19062
125_10 19018 AACAGCATTTGTGTTTCAATAGAGGATTTCCATAGACCCAAATGCTGTGCTATGTGCA 19077
125_col 19063 AACAGCATTTGTGTTTCAATAGAGGATTTCCATAGACCCAAATGCTGTGCTATGTGCA 19122
125_10 19078 CTACAGACTTGTAAAGAGCTTAACTGATTAAGCTTAACTTGTGTTTCTTAAAGTGTG 19137
125_col 19123 CTACAGACTTGTAAAGAGCTTAACTGATTAAGCTTAACTTGTGTTTCTTAAAGTGTG 19182
125_10 19138 CCGATTACACACATGAGATAACTTTACTTGGTATATTTACACTAGAGAAAGACGG 19197
125_col 19183 CCGATTACACACATGAGATAACTTTACTTGGTATATTTACACTAGAGAAAGACGG 19242
125_10 19198 AAGTTGAGAGCATCTGTGATGCTTATTTACCAAGGTAGACACACCGCTGATTTAG 19257
125_col 19243 AAGTTGAGAGCATCTGTGATGCTTATTTACCAAGGTAGACACACCGCTGATTTAG 19292
125_10 19258 CCGTTAGAGACATGGAAGAGGACTTCCATAGTATGATATGAGGCTTCTTAAATAGAG 19317
125_col 19303 CCGTTAGAGACATGGAAGAGGACTTCCATAGTATGATATGAGGCTTCTTAAATAGAG 19362
125_10 19318 TACGAGCTTGAAGATACGGCTTGAAGGAGCTGTGTATGTTGATGTTTCAAAACACCC 19337
125_col 19363 TACGAGCTTGAAGATACGGCTTGAAGGAGCTGTGTATGTTGATGTTTCAAAACACCC 19422
125_10 19378 CTGTTGTTGCTATCTAATTTGCGAGTGTGCTGAGGCTGTGAGGCTGTGCTCAAA 19437
125_col 19423 CTGTTGTTGCTATCTAATTTGCGAGTGTGCTGAGGCTGTGAGGCTGTGCTCAAA 19482
125_10 19438 ATAGACGATTTGTGTCTAGTAATGATAGACGCTTAAGCTTGTGATCTTCAATATGCT 19497
125_col 19483 ATAGACGATTTGTGTCTAGTAATGATAGACGCTTAAGCTTGTGATCTTCAATATGCT 19542

```

【図 2 - 2 3】

FIG. 2 (cont'd)

```

125_10 20398 ATGATATGTCTTACAAATGATGCTGATTTAAGCAAGTCAATTTAAGCATAAAGCT 20457
125_col 20443 ATGATATGTCTTACAAATGATGCTGATTTAAGCAAGTCAATTTAAGCATAAAGCT 20502
125_10 20458 ACAGTTGCTCAATTAATTAAGAGATCATCACTATGATGATGTTGTTGGAAG 20517
125_col 20503 ACAGTTGCTCAATTAATTAAGAGATCATCACTATGATGATGTTGTTGGAAG 20562
125_10 20518 AATGTTAAGTTGCTAGTGGTAAATAGAGCCGATTTGTTGTTTCAATCACTTGTGTC 20577
125_col 20563 AATGTTAAGTTGCTAGTGGTAAATAGAGCCGATTTGTTGTTTCAATCACTTGTGTC 20622
125_10 20578 AACGTAAACAGATGAAGTCTTAACTACTCTGTGTTGTTCTTACAGTACTTTCAACAC 20637
125_col 20623 AACGTAAACAGATGAAGTCTTAACTACTCTGTGTTGTTCTTACAGTACTTTCAACAC 20682
125_10 20638 TTAAGCTACACAGATGTCACAGGTGCTGACGTACACATCAATTTAAGCGGTCTTCTT 20697
125_col 20683 TTAAGCTACACAGATGTCACAGGTGCTGACGTACACATCAATTTAAGCGGTCTTCTT 20742
125_10 20698 CAAMATTAAATGTTTACGGGCTTGCAGTGTGTGATGCGGGGTATCACTAATTTGTTG 20757
125_col 20743 CAAMATTAAATGTTTACGGGCTTGCAGTGTGTGATGCGGGGTATCACTAATTTGTTG 20802
125_10 20758 AAAACAGGTTGCTCAATTCAGCTTGTGCTGCGCAACATCCAGCTGCTAGTGGCG 20817
125_col 20803 AAAACAGGTTGCTCAATTCAGCTTGTGCTGCGCAACATCCAGCTGCTAGTGGCG 20862
125_10 20818 TTGATGATCTTGTGATGATATAGAGGTGCTATGAGCTTGAAGTTGATGATTTGCTG 20877
125_col 20863 TTGATGATCTTGTGATGATATAGAGGTGCTATGAGCTTGAAGTTGATGATTTGCTG 20912
125_10 20878 AAGAGCTTTTGAACCTTGAAGTACAGCTTATTTACAAAGGCTACAGGATGAACA 20937
125_col 20923 AAGAGCTTTTGAACCTTGAAGTACAGCTTATTTACAAAGGCTACAGGATGAACA 20982
125_10 20938 CTAAATGATCTGCGGACGTGCGATTTGCGAGTTTCCATGATTAAGCAATGAGGCCCA 20997
125_col 20983 CTAAATGATCTGCGGACGTGCGATTTGCGAGTTTCCATGATTAAGCAATGAGGCCCA 2062
125_10 20998 CTGCTAATTAAGTGTACATAGGTGCTAATGCTTAAACAAGCTCCAGCTC 21057
125_col 21043 CTGCTAATTAAGTGTACATAGGTGCTAATGCTTAAACAAGCTCCAGCTC 21102
125_10 21058 ATATGATGATGATGATGTTGTCGCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 21117
125_col 21103 ATATGATGATGATGATGTTGTCGCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 21162
125_10 21118 CTGACAGATCTATTTATTTTAAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 21177
125_col 21163 CTGACAGATCTATTTATTTTAAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 21222
125_10 21178 AACAGAGTGGAGTGTGCTATGATGATGATTTAGAGCAACCATCTACATGCTATGAT 21237
125_col 21223 AACAGAGTGGAGTGTGCTATGATGATGATTTAGAGCAACCATCTACATGCTATGAT 21282
125_10 21238 TTACTAGTGTGAGGATGATGATTTCTTATCAACCTAGACGATTAAGTGAAGTT 21297
125_col 21283 TTACTAGTGTGAGGATGATGATTTCTTATCAACCTAGACGATTAAGTGAAGTT 21342
125_10 21298 ATGCTGCAAGTATTTGCTACAGGACCAATGGCCATATACAGAGTTTAAATTTA 21357
125_col 21343 ATGCTGCAAGTATTTGCTACAGGACCAATGGCCATATACAGAGTTTAAATTTA 21402

```

【図 2 - 2 2】

FIG. 2 (cont'd)

```

125_10 19498 GATAACCTTAGTAGAAGTGGTTTGTACGTATGATGATCTCTGCTTGACGATTTTGT 19557
125_col 19543 GATAACCTTAGTAGAAGTGGTTTGTACGTATGATGATCTCTGCTTGACGATTTTGT 19602
125_10 19558 AGCATTTCTTAATCTTGGATTTGGAGCTGTATCTAAGGTCATGAAGTTGGTGTGAT 19617
125_col 19603 AGCATTTCTTAATCTTGGATTTGGAGCTGTATCTAAGGTCATGAAGTTGGTGTGAT 19662
125_10 19618 TGTAAATTTGAGGTTGATGTTGTGTTGTTGAGGATCAATAACTCTGACATTTATCCG 19677
125_col 19663 TGTAAATTTGAGGTTGATGTTGTGTTGTTGAGGATCAATAACTCTGACATTTATCCG 19722
125_10 19678 CAACCTCAGGCGAGTGAAGAGTGGTGTATCCATGCTCTCTATTTACAGATACAA 19737
125_col 19723 CAACCTCAGGCGAGTGAAGAGTGGTGTATCCATGCTCTCTATTTACAGATACAA 19782
125_10 19738 CGATGCTGTTTGAAGACTTCAACTCTCAACATATGCTGCTGTTAAGTTACTCTGAT 19797
125_col 19783 CGATGCTGTTTGAAGACTTCAACTCTCAACATATGCTGCTGTTAAGTTACTCTGAT 19842
125_10 19798 GGCATTTGTTTAACTGATTAATACACAGCTTTTGTCAATATCTCAATAGACACCA 19857
125_col 19843 GGCATTTGTTTAACTGATTAATACACAGCTTTTGTCAATATCTCAATAGACACCA 19902
125_10 19858 ATGTGTGATCCCATCACTACAGTGGTGTCTACATCTTGTGCTGGCTCCGACAGGGTGT 19917
125_col 19903 ATGTGTGATCCCATCACTACAGTGGTGTCTACATCTTGTGCTGGCTCCGACAGGGTGT 19962
125_10 19918 GCACCTGGCAGGCTGCTCTACAGAGTGGTGGCAGTGGATGATTAAGTTGACAAAT 19977
125_col 19963 GCACCTGGCAGGCTGCTCTACAGAGTGGTGGCAGTGGATGATTAAGTTGACAAAT 20022
125_10 19978 GATAGTGGATTTAGCTTACGATGCTGATATAGTGTACAGGAGATTTGCTACACTTA 20037
125_col 20023 GATAGTGGATTTAGCTTACGATGCTGATATAGTGTACAGGAGATTTGCTACACTTA 20082
125_10 20038 TACCTGTGAGATTAAGTTGATTTAGTTATATCTGATGATGATGATGATGATGATGAT 20097
125_col 20083 TACCTGTGAGATTAAGTTGATTTAGTTATATCTGATGATGATGATGATGATGATGAT 20142
125_10 20098 TGTGATGGGAGAACGCTGCTCAAGAGGCTCTTCCCTATATTAAAGTGTGCTACCC 20157
125_col 20143 TGTGATGGGAGAACGCTGCTCAAGAGGCTCTTCCCTATATTAAAGTGTGCTACCC 20202
125_10 20158 GAAAGTTGGCAGCTTGTGCTGATGATGATTAAGGTCAGGAGTTAGTTGGAATAG 20217
125_col 20203 GAAAGTTGGCAGCTTGTGCTGATGATGATTAAGGTCAGGAGTTAGTTGGAATAG 20262
125_10 20218 AAGTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 20277
125_col 20263 AAGTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 20322
125_10 20278 AGCTCATGCTCAGAGGCTCTTAAATGCTGTTTCACTATTAAGGATTTTGAAGTGGC 20337
125_col 20323 AGCTCATGCTCAGAGGCTCTTAAATGCTGTTTCACTATTAAGGATTTTGAAGTGGC 20382
125_10 20338 GCTGTGATGAGGCAACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 20397
125_col 20383 GCTGTGATGAGGCAACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 20442

```

【図 2 - 2 4】

FIG. 2 (cont'd)

```

125_10 21358 ATAATTTGTTCTTTTGTCCAATGATCCACTTGTGTCATGAGGTTGTTTCCAACC 21417
125_col 21403 ATAATTTGTTCTTTTGTCCAATGATCCACTTGTGTCATGAGGTTGTTTCCAACC 21462
125_10 21418 AACCATTTGTTGTTGATGTTCTTTTGGCATTCTAAGATTATGAGCTAGGCCAATTT 21477
125_col 21463 AACCATTTGTTGTTGATGTTCTTTTGGCATTCTAAGATTATGAGCTAGGCCAATTT 21522
125_10 21478 TCTCCTTTAAATCAAGCATGATGATGTTGTTGATGAGGCTGCTGAGGCTGCTGAGGCT 21537
125_col 21523 TCTCCTTTAAATCAAGCATGATGATGTTGTTGATGAGGCTGCTGAGGCTGCTGAGGCT 21582
125_10 21538 AGGCTCTGAGGCTTAAATTAATGAGCACTCTGCTGATCTTGTGAGGCTGCTGAGGCT 21597
125_col 21583 AGGCTCTGAGGCTTAAATTAATGAGCACTCTGCTGATCTTGTGAGGCTGCTGAGGCT 21642
125_10 21598 TTGATGCTTGTGAGCAAAATTTTCTTTTGTGAGGATTAATCCCAATCTGATCT 21657
125_col 21643 TTGATGCTTGTGAGCAAAATTTTCTTTTGTGAGGATTAATCCCAATCTGATCT 21702
125_10 21658 TAGCCACTTGGCCTACCTCTGGGCTGCTACCAAGTACCTATTATTTGTTTCTTAAAG 21717
125_col 21703 TAGCCACTTGGCCTACCTCTGGGCTGCTACCAAGTACCTATTATTTGTTTCTTAAAG 21762
125_10 21718 TGGATCTTCAACTCACTGTTTAAATTTTGGCTGTTTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 21777
125_col 21763 TGGATCTTCAACTCACTGTTTAAATTTTGGCTGTTTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 21822
125_10 21778 AAATTTGATCACTCAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 21837
125_col 21823 AAATTTGATCACTCAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 21882
125_10 21838 GTTGTGATGCTGCTCACAATTAATTTCACTGCTTACGAGCTGATGATGATGATGATGAT 21897
125_col 21883 GTTGTGATGCTGCTCACAATTAATTTCACTGCTTACGAGCTGATGATGATGATGATGATGAT 21942
125_10 21898 GTTTTGGACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 21957
125_col 21943 GTTTTGGACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 22002
125_10 21958 CATTACAGGATCTTTTATTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 22017
125_col 22003 CATTACAGGATCTTTTATTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 22062
125_10 22018 CTTTGGACCTGATGATGATTTTACCTATTCTTCTAGAGAACCTTCTGATGATGATGAT 22077
125_col 22063 CTTTGGACCTGATGATGATTTTACCTATTCTTCTAGAGAACCTTCTGATGATGATGATGAT 22122
125_10 22078 AGCCAAATTTCTTTGTTACTCTGCTGATTTAATGATGATCTTTTGTAACTATGCT 22137
125_col 22123 AGCCAAATTTCTTTGTTACTCTGCTGATTTAATGATGATCTTTTGTAACTATGCT 22182
125_10 22138 TATCTGCTTCTTTGCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 22197
125_col 22183 TATCTGCTTCTTTGCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 22242
125_10 22198 ATGGGTTAGTCTTCTGCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 22257
125_col 22243 ATGGGTTAGTCTTCTGCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 22302

```

【 図 2 - 2 6 】

[illegible]

		FIG. 2 (cont'd)	
125_10	23218	TGC TGG66GTTTCTTCTGTATGATCTGCAAGGTCAGAGGTTGTAACAAAAGGTTCTTA	23277
125_10	23263	TGC TGG66GTTTCTTCTGTATGATCTGCAAGTTCAGAGGTTGTAACAAAAGGTTCTTTA	23322
125_10	23278	TGGAAGCACTGCTTTTAAATAGAGTGGTACTAATGGCTTGGATGATGTGATGAGGACT	23332
125_10	23323	TGGAAGCACTGCTTTTAAATAGAGTGGTACTAATGGCTTGGATGATGTGATGAGGACT	23387
125_10	23338	ATAGCGGTTCTTAAGTGAGTCTCTGGGGACATGCTCTGTGCAGATCTATATCTTC	23442
125_10	23383	ATAGCGGTTCTTAAGTGAGTCTCTGGGGACATGCTCTGTGCAGATCTATATCTTC	23447
125_10	23398	GTTGATGAGTCTATCTGGTGTGTGTGAGCGTGAGAGCTACAGATATAGTGGTCTG	23452
125_10	23443	GTTGATGAGTCTATCTGGTGTGTGTGAGCGTGAGAGCTACAGATATAGTGGTCTG	23502
125_10	23468	TCA TGGGTTAGTGGTCTAGAGAGTTTACTTCTGACCGAGCAT TGGCTTTACGATAT	23517
125_10	23463	TCA TGGGTTAGTGGTCTAGAGAGTTTACTTCTGACCGAGCAT TGGCTTTACGATAT	23562
125_10	23518	CTGTTCAAGCTAGCAATTAATCTTGCTCTACAGACGATGTTTCTACAGGACACCGAC	23577
125_10	23563	CTGTTCAAGCTAGCAATTAATCTTGCTCTACAGACGATGTTTCTACAGGACACCGAC	23622
125_10	23578	AAATGTCCTGAGGTTTCTAAATCTGATATGGTATATATATTCACGCTTTAGAGAGT	23637
125_10	23623	AAATGTCCTGAGGTTTCTAAATCTGATATGGTATATATATTCACGCTTTAGAGAGT	23678
125_10	23638	TAAAGAGGACTATATGCAAACTCAAGAGTTTGATGACGTGGCTCATGGCTTACTA	23689
125_10	23683	TAAAGAGGACTATATGCAAACTCAAGAGTTTGATGACGTGGCTCATGGCTTACTA	23742
125_10	23698	AGATTCAGAGAGTTCTTAACCTGACGAGGTCAGACTTCAACCTACCCAGACAGGCTG	23757
125_10	23743	AGATTCAGAGAGTTCTTAACCTGACGAGGTCAGACTTCAACCTACCCAGACAGGCTG	23802
125_10	23758	ACAACATCTTCGAGCATTTTCAAGTCTATTGATGAGATTTACTCTGACTGGACATCT	23817
125_10	23803	ACAACATCTTCGAGCATTTTCAAGTCTATTGATGAGATTTACTCTGACTGGACATCT	23862
125_10	23818	TTTACAGGCTGATTCAGGTTCAGATCTCTATACACCGGAGATCTACAGCATATAGTCT	23877
125_10	23863	TTTACAGGCTGATTCAGGTTCAGATCTCTATACACCGGAGATCTACAGCATATAGTCT	23922
125_10	23878	TTTTCGACGGCTGATTCAGGTTCAGATCTCTATACACCGGATCTACAGCATATAGTCT	23937
125_10	23893	TTTTCGACGGCTGATTCAGGTTCAGATCTCTATACACCGGATCTACAGCATATAGTCT	23942
125_10	23908	GGAGACGATATTTCTCTTGGTACAGGACGACATTCAGGGCTGCTGTTTTCATATACG	24057
125_10	23943	GGAGACGATATTTCTCTTGGTACAGGACGACATTCAGGGCTGCTGTTTTCATATACG	24092
125_10	24058	TACTCTACAGGATGTTGTAGATGTTATTTGCATCTGAGGCTGTTGCTGTATACGAT	24117
125_10	24103	TACTCTACAGGATGTTGTAGATGTTATTTGCATCTGAGGCTGTTGCTGTATACGAT	24162
125_10	24118	AAATTTGAGTCTGATCTGACGGCTGCTGATGCTGTTGTTTACGATCAGATCTCAAAAT	24177
125_10	24163	AAATTTGAGTCTGATCTGACGGCTGCTGATGCTGTTGTTTACGATCAGATCTCAAAAT	24222

【 図 2 - 2 8 】

[illegible]

		FIG. 2 (cont'd)			
125_10	25878	GTTAGCTGCTGTTTACCTCGGCGCAATAAAAGGCGCTCTATTATTTTAAATCA	25137		
US_col	25813	GTTCCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	25138		
125_10	25128	CGACACTCTCTCTTCAAGTAGTAAGAGCACTTATTATGACGGCAATCCATGTGTAT	25197		
US_col	25173	CGACACTCTCTCTTCAAGTAGTAAGAGCACTTATTATGACGGCAATCCATGTGTAT	25232		
125_10	25198	TGAAGAGGTGGTGACCAATCAATCACTTTGGCACTCTTTGGTCTGTTTATGTAGCA	25267		
US_col	25233	TGAAGAGGTGGTGACCAATCAATCACTTTGGCACTCTTTGGTCTGTTTATGTAGCA	25302		
125_10	25258	TGCAGTGTATACGATACGTCGGCGGCGAAGAACGACACAGCTGTCTCGAAGCTG	25327		
US_col	25293	TGCAGTGTATACGATACGTCGGCGGCGAAGAACGACACAGCTGTCTCGAAGCTG	25352		
125_10	25318	TGGAGCTCTTGAGCGCAAGAGCTTATGTCCTTCCGCAACATCAAAATTGTGCGATAT	25387		
US_col	25353	TGGAGCTCTTGAGCGCAAGAGCTTATGTCCTTCCGCAACATCAAAATTGTGCGATAT	25412		
125_10	25378	CTATCTGCTGATTTGACTCAATCAACATAGACAGATATGCTACAAATGATGATGATAT	25437		
US_col	25413	CTATCTGCTGATTTGACTCAATCAACATAGACAGATATGCTACAAATGATGATGATAT	25472		
125_10	25438	GGTCATAGTAGTATGATATGATCTTGGCTCTTCTGCTGCTTCTTCTGCTTATTATAGC	25497		
US_col	25473	GGTCATAGTAGTATGATATGATCTTGGCTCTTCTGCTGCTTCTTCTGCTTATTATAGC	25532		
125_10	25498	ATTACTTCTGCGCAATTGTTGATTCTGTGCTCTTCACTACCGGTTGTGATTAGGGCA	25567		
US_col	25533	ATTACTTCTGCGCAATTGTTGATTCTGTGCTCTTCACTACCGGTTGTGATTAGGGCA	25598		
125_10	25558	GTTTACACACCCTATAGGGGCGTTGTATAGGTTTATAGGCTCTACATCGAATAGACGCC	25617		
US_col	25593	GTTTACACACCCTATAGGGGCGTTGTATAGGTTTATAGGCTCTACATCGAATAGACGCC	25652		
125_10	25618	CCTCCGTAAGACGTATGTATGATATGAAGCAATGATGATACAGGCTCTTACCTGGTGA	25712		
US_col	25653	CCTCCGTAAGACGTATGTATGATATGAAGCAATGATGATACAGGCTCTTACCTGGTGA	25737		
125_10	25678	TGGAGTGATGATCAACCACTTGGCAATGGTATTCACATGGATATCATCTACGAGTACT	25752		
US_col	25713	TGGAGTGATGATCAACCACTTGGCAATGGTATTCACATGGATATCATCTACGAGTACT	25772		
125_10	25738	ACTGTGATGCTTCAGATATGGCAATCAAGACTCTGGGCTTGTTGATGGTGTCCCAAT	25797		
US_col	25773	ACTGTGATGCTTCAGATATGGCAATCAAGACTCTGGGCTTGTTGATGGTGTCCCAAT	25832		
125_10	25798	GGCATCTCTATGGGATCTATGGGCTCTTGCTGTATGACATGGACATTTTGA	25857		
US_col	25833	GGCATCTCTATGGGATCTATGGGCTCTTGCTGTATGACATGGACATTTTGA	25867		
125_10	25818	TAGCTTTCAGGATCAATTGGGCTTTTGGCTCTAGACATGATATATGGCTGCATCAGCC	25912		
US_col	25893	TAGCTTTCAGGATCAATTGGGCTTTTGGCTCTAGACATGATATATGGCTGCATCAGCC	25957		
125_10	25918	TATGCTGTGGATATGATCTACTTGTCAATAGCAATGGTGTGGGCGAGAGCATCTTGTG	25972		
US_col	25953	TATGCTGTGGATATGATCTACTTGTCAATAGCAATGGTGTGGGCGAGCATCTTGTG	26012		
125_10	25978	GTGGTCTTTCAATCTGMAACAGAGCGGCTCTCACTACTCTGTGATGGGCGCAGAGT	26037		
US_col	26013	GTGGTCTTTCAATCTGMAACAGAGCGGCTCTCACTACTCTGTGATGGGCGCAGAGT	26072		

【図 2 - 29】

FIG. 2 (cont'd)		
125_10	26038	CTGACATCAAGTCTTGGAGCAACCACTGATACGCTAACCACTCTTAGTGTCATTT
US_col	26073	CTGACATCAAGTCTTGGAGCAACCACTGATACGCTAACCACTCTTAGTGTCATTT
125_10	26098	GCTGTGAGAGGCTATAGGTTGCTACTGAGTACAGTGAAGTCAATTAATTTCTGT
US_col	26133	GCTGTGAGAGGCTATAGGTTGCTACTGAGTACAGTGAAGTCAATTAATTTCTGT
125_10	26158	CAGATGCGCAAGGCTACACCAATTTGCTACGAGCGTGTGAGTGTCTTCAATCAATG
US_col	26193	CAGATGCGCAAGGCTACACCAATTTGCTACGAGCGTGTGAGTGTCTTCAATCAATG
125_10	26218	TTATCTTGGACATGGTGTGGCTTTCTATGTCGGTCCAAACAGGGGACTACTACGCTGT
US_col	26253	TTATCTTGGACATGGTGTGGCTTTCTATGTCGGTCCAAACAGGGGACTACTACGCTGT
125_10	26278	GAGTAATCCAGGTCGGTCTCACATAGTGAAGAGTGTCTTCAATTAAGTCAACAGA
US_col	26313	GAGTAATCCAGGTCGGTCTCACATAGTGAAGAGTGTCTTCAATTAAGTCAACAGA
125_10	26338	AACCTTATGCTCTCTGATGTTCCAGGATGTCGGTCCAAAGGGGTCATATTCCTCT
US_col	26373	AACCTTATGCTCTCTGATGTTCCAGGATGTCGGTCCAAAGGGGTCATATTCCTCT
125_10	26398	TATGCTCCCTCTTAGGTTACTAATGACAAACCTCTTCAAGGTACTTCAATAATGCT
US_col	26433	TATGCTCCCTCTTAGGTTACTAATGACAAACCTCTTCAAGGTACTTCAATAATGCT
125_10	26458	GTACCACTAATAAGGAATAGGACCAAGTAATGATATGGAATGAGCAATTCGC
US_col	26493	GTACCACTAATAAGGAATAGGACCAAGTAATGATATGGAATGAGCAATTCGC
125_10	26518	TGGCGCATGCGCGTGGTGGAGGATGACCACTTCCAAATTTGCAATTTCTTACATCT
US_col	26553	TGGCGCATGCGCGTGGTGGAGGATGACCACTTCCAAATTTGCAATTTCTTACATCT
125_10	26578	GGAAAGAGGCTCACCGGACCTCCGCTATAGGATGCTACTGAGGCTTTTCTGGGTT
US_col	26613	GGAAAGAGGCTCACCGGACCTCCGCTATAGGATGCTACTGAGGCTTTTCTGGGTT
125_10	26638	GCTAAGAAAGGCGCAAGATCAACCACTAATCTGGTGTGGAAGGCTGTGGAAGG
US_col	26673	GCTAAGAAAGGCGCAAGATCAACCACTAATCTGGTGTGGAAGGCTGTGGAAGG
125_10	26698	CCAAATTTCAAAATTTCTTCAACAGCTTCCAGGCTAGTTGAGATTTTGAACCAAC
US_col	26733	CCAAATTTCAAAATTTCTTCAACAGCTTCCAGGCTAGTTGAGATTTTGAACCAAC
125_10	26758	ACACCTTCTACTTCACTGCGCAATTTGAGTACAGGAGTGTGGTAAATGGCAACAGG
US_col	26793	ACACCTTCTACTTCACTGCGCAATTTGAGTACAGGAGTGTGGTAAATGGCAACAGG
125_10	26818	TCCAGATCTTCAAGTAAACAGAGGCAATCAACCTTCCCGGTAATTTACAGAACTGT
US_col	26853	TCCAGATCTTCAAGTAAACAGAGGCAATCAACCTTCCCGGTAATTTACAGAACTGT
125_10	26878	GGAAATACACAGGCTGTGGAGCTTTCAGAAAGAGGAGGCAATTAATACAAATAC
US_col	26913	GGAAATACACAGGCTGTGGAGCTTTCAGAAAGAGGAGGCAATTAATACAAATAC

【図 2 - 30】

FIG. 2 (cont'd)		
125_10	26938	AACTCTCTTAACCACTTCCAAAGCAAGAACCTTCAATGAGCGTGGTGTGAATCA
US_col	26973	AACTCTCTTAACCACTTCCAAAGCAAGAACCTTCAATGAGCGTGGTGTGAATCA
125_10	26998	CGGATGATCTTGGTGTGCTGTCTCAAGATGCGCTTCAATCTTTGGGATTGGGGAAG
US_col	27033	CGGATGATCTTGGTGTGCTGTCTCAAGATGCGCTTCAATCTTTGGGATTGGGGAAG
125_10	27058	CTTGAAGGCTTAAACCAAGCAAGAACCTTCAAGCAAGGCTTGTGACACAGCGCAAA
US_col	27093	CTTGAAGGCTTAAACCAAGCAAGAACCTTCAAGCAAGGCTTGTGACACAGCGCAAA
125_10	27118	AATACACCTTAAAGCAAGCAATCCAGAGGCTTCAAGCAAGGCTTGTGACACAGCT
US_col	27153	AATACACCTTAAAGCAAGCAATCCAGAGGCTTCAAGCAAGGCTTGTGACACAGCT
125_10	27178	CCAGATGAGGAGGAATTTCCAGGGGCAAAATAGCTTAGCAGCTTGTCTTGGACCCAG
US_col	27213	CCAGATGAGGAGGAATTTCCAGGGGCAAAATAGCTTAGCAGCTTGTCTTGGACCCAG
125_10	27238	GGAGGCTTCAAAAATTTTGGAGTGGGAAATTTGTGAAAAGAGTGTGATGCTCAGG
US_col	27273	GGAGGCTTCAAAAATTTTGGAGTGGGAAATTTGTGAAAAGAGTGTGATGCTCAGG
125_10	27298	TATGCTCAGATCCGAGTTTACACCAAAATTTGACAGCTTGTCTTTGGTGTAAATGT
US_col	27333	TATGCTCAGATCCGAGTTTACACCAAAATTTGACAGCTTGTCTTTGGTGTAAATGT
125_10	27358	GCTGTTGTGAGCTAGCGGACTTACAGAGATTAATATAAATGATGTGCTCA
US_col	27393	GCTGTTGTGAGCTAGCGGACTTACAGAGATTAATATAAATGATGTGCTCA
125_10	27418	AACTCTGATCAAAATTTGAGGCTTCTTGTTCACAGGTTGATGATTTAAACATGGAA
US_col	27453	AACTCTGATCAAAATTTGAGGCTTCTTGTTCACAGGTTGATGATTTAAACATGGAA
125_10	27478	CAAAAACCCAGAGAGAGGAGAGAGAGAGAGAGGCTTGAACCAAGCAGCAGCTGAA
US_col	27513	CAAAAACCCAGAGAGAGGAGAGAGAGAGAGAGGCTTGAACCAAGCAGCAGCTGAA
125_10	27538	GAAAGGCCATCTACAGATGATGTGGTGTGCTGATGTGATCTCATGCAATTTGAA
US_col	27573	GAAAGGCCATCTACAGATGATGTGGTGTGCTGATGTGATCTCATGCAATTTGAA
125_10	27598	TGGGACACAGCTTTGATGTTGTGACAGGCTTGAATATTACACAGATCTTGCAC
US_col	27633	TGGGACACAGCTTTGATGTTGTGACAGGCTTGAATATTACACAGATCTTGCAC
125_10	27658	ACAGGAAATTAACCAATTTGACGCTTCTTGTTCACAGGTTGATGATTTGCAAT
US_col	27693	ACAGGAAATTAACCAATTTGACGCTTCTTGTTCACAGGTTGATGATTTGCAAT
125_10	27718	ACACTGTATTACTGAGTGTCTTCTTACGAGCTTGGCTGGGCTGAGTGTCTTGCCT
US_col	27753	ACACTGTATTACTGAGTGTCTTCTTACGAGCTTGGCTGGGCTGAGTGTCTTGCCT
125_10	27778	TAACTAGCGCTTGTGTTGTGACACAGGATAGGAGCTGTGATGTTGATGCAAGAG
US_col	27813	TAACTAGCGCTTGTGTTGTGACACAGGATAGGAGCTGTGATGTTGATGCAAGAG

【図 2 - 31】

FIG. 2 (cont'd)		
125_10	27838	GATATTACATAGCATCTGATGAGGGGAGGAGTACCTTTTCACTTAACCTTTGAC
US_col	27873	GATATTACATAGCATCTGATGAGGGGAGGAGTACCTTTTCACTTAACCTTTGAC
125_10	27898	GAGTAATCAAAATCCCTTGAAGGCTTATGGAAGGCTGTCAGGATTTGACTCA
US_col	27933	GAGTAATCAAAATCCCTTGAAGGCTTATGGAAGGCTGTCAGGATTTGACTCA
125_10	27958	AGGACTGTTGATTAACGAGGAGCTGACGCTTGTGATAT
US_col	27993	AGGACTGTTGATTAACGAGGAGCTGACGCTTGTGATAT

【図 3】

FIG. 3

最も近い北アメリカPEDV G2aコロラド株のスパイクタンパク質アミノ酸配列 (GenBank アクセション番号: AG058664) (配列番号:12) とアラインメントを実施した PEDV 1251-125-10 (125-10) のスパイクタンパク質 (配列番号:14)

125-10	1	MKSLTYFLMLFLVLSTLSLPQDVTRCSANTNFRFRFSKNVQAPAVVLGSLPGENQ	180
US_col	1	MKSLTYFLMLFLVLSTLSLPQDVTRCSANTNFRFRFSKNVQAPAVVLGSLPGENQ	180
125-10	181	VNSTNYACQHPFASGVHGFVSVIRGSGHFETIGSQFDPDSGYQLVHLKATNONTNAT	360
US_col	61	VNSTNYACQHPFASGVHGFVSVIRGSGHFETIGSQFDPDSGYQLVHLKATNONTNAT	120
125-10	361	ARLRICQPPSIKTLPANNVDVTRGNLFKPAIPAHMSEHSVVGITWMDNRVTVFSKDI	540
US_col	121	ARLRICQPPSIKTLPANNVDVTRGNLFKPAIPAHMSEHSVVGITWMDNRVTVFSKDI	180
125-10	541	YYVFKNDNRVATKCYNSGGCAQYVVEPTYYMLNVTSAEEDISYQPCATNCIGYAA	720
US_col	181	YYVFKNDNRVATKCYNSGGCAQYVVEPTYYMLNVTSAEEDISYQPCATNCIGYAA	240
125-10	721	VFATEPNHGHPGFSFNWFLNSDSTLVHKVSNQPLVNCLLAIPKIVGLQGFSSFN	900
US_col	241	VFATEPNHGHPGFSFNWFLNSDSTLVHKVSNQPLVNCLLAIPKIVGLQGFSSFN	300
125-10	901	QTIDGVCNGAAVQRAPEALRFNZNDSTVLAEGSVLHTALGTFNFSVCNSPNPHLATF	1080
US_col	301	QTIDGVCNGAAVQRAPEALRFNZNDSTVLAEGSVLHTALGTFNFSVCNSPNPHLATF	360
125-10	1081	ATPLGATQPYFFCLKVDYNTSVYKFLAVLPPTVREIVITKYGDVYNGFVYHLGLD	1260
US_col	361	ATPLGATQPYFFCLKVDYNTSVYKFLAVLPPTVREIVITKYGDVYNGFVYHLGLD	420
125-10	1261	AVINFTGHGTDGVSFGFTASTNFVDALIEVGTAIQRILYCDPVSQKCSQVAFDL	1440
US_col	421	AVINFTGHGTDGVSFGFTASTNFVDALIEVGTAIQRILYCDPVSQKCSQVAFDL	480
125-10	1441	DDGYPPISSRNLLSHEQIPSVTLPSFNDSFVNLTVSASFGHSGANLIASDTTNGFS	1620
US_col	481	DDGYPPISSRNLLSHEQIPSVTLPSFNDSFVNLTVSASFGHSGANLIASDTTNGFS	540
125-10	1621	SFCDVTRQFTISLFPVNTSVYGVSKQSNCPFTLQSNVDYLSFKFCVSTLSLASACT	1800
US_col	541	SFCDVTRQFTISLFPVNTSVYGVSKQSNCPFTLQSNVDYLSFKFCVSTLSLASACT	1860
125-10	1801	IDLFGVPFEGSGVKFTSLYFQFTKGELTGT KPLGTVDSFMTLDVCTKYTVYFGKE	1980
US_col	601	IDLFGVPFEGSGVKFTSLYFQFTKGELTGT KPLGTVDSFMTLDVCTKYTVYFGKE	660
125-10	1981	GIITLTNSSFLAGVYTSVSQQLAFKNVTSAGVSVTPCSFSEQAAYVDDIIVGVISL	2160
US_col	661	GIITLTNSSFLAGVYTSVSQQLAFKNVTSAGVSVTPCSFSEQAAYVDDIIVGVISL	720

【図 3 - 2】

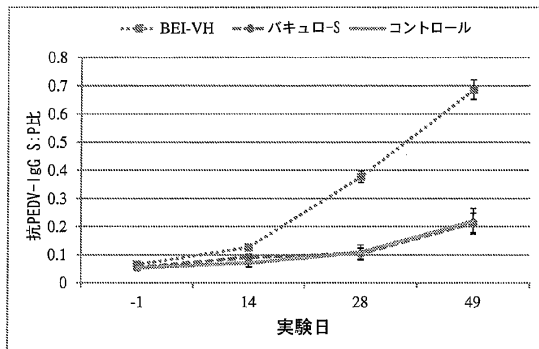
FIG. 3 (cont'd)

125-10	2161	SSSTFNSRELPGFFVHNSDGNCTEPULVSNIGVCKSGSISIVPSQSQVKIAPVTIG	2340
US_col	721	SSSTFNSRELPGFFVHNSDGNCTEPULVSNIGVCKSGSISIVPSQSQVKIAPVTIG	780
125-10	2341	NSISPTNFSNIRTEYLQVNTVPVSDCATYVKNRSKQLLTQYTAACKTIESALXS	2520
US_col	781	NSISPTNFSNIRTEYLQVNTVPVSDCATYVKNRSKQLLTQYTAACKTIESALXS	840
125-10	2521	ARLESVENSLMITSSEALQLATISFNDGNYNTFNLGVSVDPARGVRVQKRSFIEDL	2700
US_col	841	ARLESVENSLMITSSEALQLATISFNDGNYNTFNLGVSVDPARGVRVQKRSFIEDL	900
125-10	2701	LFNVVNLGTVDEYDKRCSNGRSVADLVQZYGVSMVLPQVDAELKHMYSALGG	2880
US_col	901	LFNVVNLGTVDEYDKRCSNGRSVADLVQZYGVSMVLPQVDAELKHMYSALGG	960
125-10	2881	MVLGGTSAALPFSYAVQRLNYLALQTVLQRNQLLAESFNSAIGNTISAFESKEA	3060
US_col	961	MVLGGTSAALPFSYAVQRLNYLALQTVLQRNQLLAESFNSAIGNTISAFESKEA	1020
125-10	3061	ISQTSKGLNTVAHALTKVQEVNVSQAALQTLVQLQNNQATSSIDOTYSRLDLSAD	3240
US_col	1021	ISQTSKGLNTVAHALTKVQEVNVSQAALQTLVQLQNNQATSSIDOTYSRLDLSAD	1080
125-10	3241	VQVDRILTGRLSALNFAVQTLTKYTEVQASRLAQQVKEWCSQGRYFGCGDEHJ	3420
US_col	1081	VQVDRILTGRLSALNFAVQTLTKYTEVQASRLAQQVKEWCSQGRYFGCGDEHJ	1140
125-10	3421	FSLVQAAPQGLFLHTLVPSDFVDVIAIGLNDIEALTLREPLVLTFLHEQHNTAT	3600
US_col	1141	FSLVQAAPQGLFLHTLVPSDFVDVIAIGLNDIEALTLREPLVLTFLHEQHNTAT	1200
125-10	3601	EYFVSRRMPEPRKPTVSDFVQIESCVTVNLTRQLPDVIPOVDWNLDELASLP	3780
US_col	1201	EYFVSRRMPEPRKPTVSDFVQIESCVTVNLTRQLPDVIPOVDWNLDELASLP	1260
125-10	3781	NRTQPSLPDVFNTYVNLGTAEADLQRESLNNTTEELQSLYVWNLTVDLEHNRV	3960
US_col	1261	NRTQPSLPDVFNTYVNLGTAEADLQRESLNNTTEELQSLYVWNLTVDLEHNRV	1320
125-10	3961	ETYIKPWWWWLIFVLIFVWSLVFCCISTGCCGCCGCCACFSGCGRPLQYVEVF	4140
US_col	1321	ETYIKPWWWWLIFVLIFVWSLVFCCISTGCCGCCGCCACFSGCGRPLQYVEVF	1380
125-10	4141	EKWHVQ 4158	
US_col	1381	EKWHVQ 1386	

【図 4】

FIG. 4

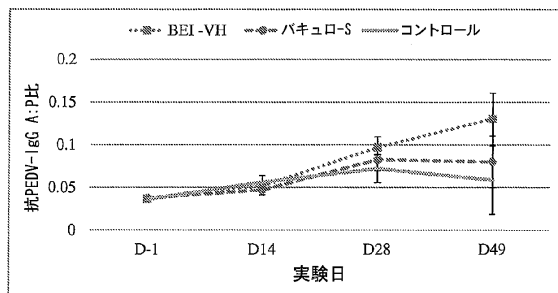
D1、14、28及び49における抗PEDV-IgG S:P比のグループ最小二乗平均±標準誤差



【図 5】

FIG. 5

D1、14、28及び49における抗PEDV-IgA S:P比のグループ最小二乗平均±標準誤差



【配列表】

0006395855000001.app

フロントページの続き

- (74)代理人 100093300
弁理士 浅井 賢治
- (74)代理人 100119013
弁理士 山崎 一夫
- (74)代理人 100123777
弁理士 市川 さつき
- (74)代理人 100111796
弁理士 服部 博信
- (74)代理人 100111501
弁理士 滝澤 敏雄
- (72)発明者 エルナンデス ルイス アレハンドロ
アメリカ合衆国 コネチカット州 06877-0368 リッジフィールド リッジバリー ロード 900 ピーオーボックス 368 ベーリンガー インゲルハイム ユーエスエイ コーポレイション ヴイピー アイピー リーガル内
- (72)発明者 イヤー アルン ヴィ
アメリカ合衆国 コネチカット州 06877-0368 リッジフィールド リッジバリー ロード 900 ピーオーボックス 368 ベーリンガー インゲルハイム ユーエスエイ コーポレイション ヴイピー アイピー リーガル内
- (72)発明者 ジョーダン ダイアナ エム マーフィー
アメリカ合衆国 コネチカット州 06877-0368 リッジフィールド リッジバリー ロード 900 ピーオーボックス 368 ベーリンガー インゲルハイム ユーエスエイ コーポレイション ヴイピー アイピー リーガル内
- (72)発明者 パターソン アビー レイ
アメリカ合衆国 コネチカット州 06877-0368 リッジフィールド リッジバリー ロード 900 ピーオーボックス 368 ベーリンガー インゲルハイム ユーエスエイ コーポレイション ヴイピー アイピー リーガル内
- (72)発明者 ルーフ マイケル ビー
アメリカ合衆国 コネチカット州 06877-0368 リッジフィールド リッジバリー ロード 900 ピーオーボックス 368 ベーリンガー インゲルハイム ユーエスエイ コーポレイション ヴイピー アイピー リーガル内
- (72)発明者 ヴォーン エリック マーティン
アメリカ合衆国 コネチカット州 06877-0368 リッジフィールド リッジバリー ロード 900 ピーオーボックス 368 ベーリンガー インゲルハイム ユーエスエイ コーポレイション ヴイピー アイピー リーガル内
- (72)発明者 ヴィクトリア ジョセフ ギルバート
アメリカ合衆国 コネチカット州 06877-0368 リッジフィールド リッジバリー ロード 900 ピーオーボックス 368 ベーリンガー インゲルハイム ユーエスエイ コーポレイション ヴイピー アイピー リーガル内

審査官 小森 潔

- (56)参考文献 中国特許出願公開第103585625(CN,A)
特表2007-522127(JP,A)
Journal of Clinical Microbiology, 2014年 1月, Vol. 52, No. 1, p234-243
mBio, 2013年, Vol. 4, No. 5, e00737-13, p1-8
PLoS One, 2013年, Vol. 8, No. 3, e57468, p1-14
Emerging Infectious Diseases, 2012年, Vol. 18, N

o . 8 , p 1 3 5 0 - 1 3 5 3

Viruses , 2 0 1 3 年 , Vol . 5 , No . 8 , p 1 9 9 1 - 2 0 0 4

(58)調査した分野(Int.Cl. , DB名)

A 6 1 K 3 9 / 2 2 5

JSTPlus / JMEDPlus / JST7580 (JDreamIII)

CPlus / MEDLINE / EMBASE / BIOSIS (STN)