

(19) 日本国特許庁(JP)

(12) 公表特許公報(A)

(11) 特許出願公表番号

特表2008-512987

(P2008-512987A)

(43) 公表日 平成20年5月1日(2008.5.1)

| (51) Int.Cl. | F 1 | | テーマコード (参考) |
|-------------------------|---------------|---------|-------------|
| C 12 N 15/09 (2006.01) | C 12 N 15/00 | Z N A A | 4 B 0 2 4 |
| C 12 P 21/02 (2006.01) | C 12 P 21/02 | C | 4 B 0 6 4 |
| C 07 K 16/00 (2006.01) | C 07 K 16/00 | | 4 B 0 6 5 |
| C 12 N 5/10 (2006.01) | C 12 N 5/00 | B | 4 C 0 8 5 |
| A 01 K 67/027 (2006.01) | A 01 K 67/027 | | 4 H 0 4 5 |

審査請求 未請求 予備審査請求 未請求 (全 61 頁) 最終頁に続く

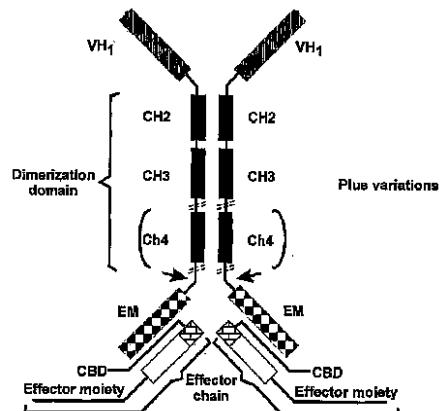
| | | | |
|---------------|------------------------------|----------|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| (21) 出願番号 | 特願2007-522034 (P2007-522034) | (71) 出願人 | 507021735 エラスムス・ユニヴァーシティ・メディカル・センター・ロッテルダム オランダ国, エヌエル-3000 ディーアール ロッテルダム, ピー・オー・ボックス 1738, デパートメント・オブ・セル・バイオロジー・アンド・ジェネティクス |
| (86) (22) 出願日 | 平成17年7月22日 (2005.7.22) | | |
| (85) 翻訳文提出日 | 平成19年3月22日 (2007.3.22) | | |
| (86) 國際出願番号 | PCT/GB2005/002892 | | |
| (87) 國際公開番号 | W02006/008548 | | |
| (87) 國際公開日 | 平成18年1月26日 (2006.1.26) | | |
| (31) 優先権主張番号 | 0416392.9 | | |
| (32) 優先日 | 平成16年7月22日 (2004.7.22) | | |
| (33) 優先権主張国 | 英國 (GB) | | |
| (31) 優先権主張番号 | 0511881.5 | | |
| (32) 優先日 | 平成17年6月10日 (2005.6.10) | | |
| (33) 優先権主張国 | 英國 (GB) | | |

最終頁に続く

(54) 【発明の名称】結合分子

(57) 【要約】

本発明は、親和性成熟を受ける機能性重鎖のみ抗体の多様なレパートリーの製造及びその使用に関する。また本発明は、クラス特異的重鎖のみ抗体の多様なレパートリーの製造及びその使用並びに抗体重鎖の機能、好ましくは抗体重鎖の結合機能、定常領域のエフェクター活性及び任意選択的に追加のエフェクター機能を有する多価ポリペプチド複合体の製造及び使用にも関する。また本発明は、抗原の投与に応答してトランスジェニックマウス中に十分に機能性の重鎖のみ抗体を生成させる方法にも関する。特に、本発明は、任意のクラス又は混合したクラスのヒトの抗原特異的で高アフィニティの重鎖のみ抗体の生成方法及び十分に機能性のVH抗原結合ドメインの単離と発現に関する。



【特許請求の範囲】**【請求項 1】**

C_H 1 ドメインをコードしていない重鎖定常領域を含み、発現されると、定義された単一又は複数のクラスの重鎖のみ抗体を生成できる異種の V_H 重鎖遺伝子座を、トランスジェニック哺乳類中で発現させるステップを含む、 V_H 重鎖のみ抗体を前記哺乳類中で製造する方法。

【請求項 2】

C_H 1 ドメインをコードしていない重鎖定常領域を含み、発現されると、定義された単一又は複数のクラスの重鎖のみ抗体を生成できるラクダ V_H (V_{HH}) 重鎖遺伝子座を、トランスジェニック哺乳類中で発現させるステップを含む、ラクダ V_H (V_{HH}) 重鎖のみ抗体を前記哺乳類中で製造する方法。 10

【請求項 3】

V_H 又はラクダ V_H (V_{HH}) 重鎖遺伝子座が一つ以上の V 遺伝子セグメントを含む請求項 1 又は 2 に記載の方法。

【請求項 4】

特定の又は各 V 遺伝子セグメントが、選択され又は遺伝子工学的に処理されて改良された溶解度特性を示す請求項 1 ~ 3 のいずれか一項に記載の方法。

【請求項 5】

特定の又は各 V 遺伝子セグメントがヒト由来である請求項に記載の方法。

【請求項 6】

重鎖定常領域が C 重鎖定常領域遺伝子の一つ以上のイソタイプを含む請求項 1 ~ 5 のいずれか一項に記載の方法。 20

【請求項 7】

重鎖定常領域が C 重鎖定常領域遺伝子の一つ以上のイソタイプを含む請求項 1 ~ 5 のいずれか一項に記載の方法。

【請求項 8】

重鎖定常領域が C 重鎖定常領域遺伝子の一つ以上のイソタイプを含む請求項 1 ~ 5 のいずれか一項に記載の方法。 30

【請求項 9】

重鎖定常領域が C 重鎖定常領域遺伝子の一つ以上のイソタイプを含む請求項 1 ~ 5 のいずれか一項に記載の方法。

【請求項 10】

重鎖定常領域が $C \mu$ 重鎖定常領域遺伝子の一つ以上のイソタイプを含む請求項 1 ~ 5 のいずれか一項に記載の方法。

【請求項 11】

重鎖定常領域が、以下の重鎖定常領域： C 、 C 、 C 、 C 、 $C \mu$ のうち二つ以上のイソタイプを含む請求項 1 ~ 10 のいずれか一項に記載の方法。

【請求項 12】

V_H 重鎖遺伝子座が、少なくとも一つのラクダもしくは非ラクダの V 遺伝子セグメント、少なくとも一つの D 遗伝子セグメント及び少なくとも一つの J 遺伝子セグメントを含む可変領域を含み、その V 遺伝子セグメント、 D 遗伝子セグメント及び J 遺伝子セグメントは、組換えられて $V D J$ コーディング配列を生成できる請求項 1 ~ 11 のいずれか一項に記載の方法。 40

【請求項 13】

重鎖遺伝子座が 20 個以上の D 遗伝子セグメントを含む請求項 12 に記載の方法。

【請求項 14】

重鎖遺伝子座が 5 個以上の J 遺伝子セグメントを含む請求項 12 又は請求項 13 に記載の方法。

【請求項 15】

少なくとも一つの D 遗伝子セグメント及び少なくとも一つの J 遗伝子セグメントが、ラ 50

クダ由来である請求項 12～14 のいずれか一項に記載の方法。

【請求項 16】

少なくとも一つの D 遺伝子セグメント及び少なくとも一つの J 遺伝子セグメントが、ラクダでない脊椎動物由来である請求項 12～14 のいずれか一項に記載の方法。

【請求項 17】

少なくとも一つの D 遺伝子セグメント及び少なくとも一つの J 遺伝子セグメントが、哺乳類由来である請求項 16 に記載の方法。

【請求項 18】

D 遺伝子セグメント及び J 遺伝子セグメントがヒト由来である請求項 12～14 のいずれか一項に記載の方法。

10

【請求項 19】

C D R 3 ループが、脊椎動物起源の単一の種由来である請求項 1～18 のいずれか一項に記載の方法。

【請求項 20】

C D R 3 ループが、ラクダ又はヒト由来である請求項 19 に記載の方法。

【請求項 21】

V_H 重鎖遺伝子座又はラクダ V_H (V_{HH}) 重鎖遺伝子座が、さらに、J 遺伝子セグメントを重鎖定常領域遺伝子と直接組換えることができる組換え配列 (r s s) を含む請求項 1～20 のいずれか一項に記載の方法。

20

【請求項 22】

異種の重鎖遺伝子座の重鎖定常領域遺伝子がラクダ起源のものである請求項 1～21 のいずれか一項に記載の方法。

【請求項 23】

異種の重鎖遺伝子座の重鎖定常領域遺伝子がラクダでない脊椎動物起源のものである請求項 1～21 のいずれか一項に記載の方法。

【請求項 24】

異種の重鎖遺伝子座の重鎖定常領域遺伝子がヒト起源のものである請求項 23 に記載の方法。

【請求項 25】

定常領域が重鎖起源のものではない請求項 1～21 のいずれか一項に記載の方法。

30

【請求項 26】

B 細胞の成熟が本質的に正常である請求項 1～25 のいずれか一項に記載の方法。

【請求項 27】

請求項 1～26 のいずれか一項に記載の方法によって得られるか又は得ることができる重鎖のみ抗体もしくはそのフラグメント又は重鎖のみ抗体のクラスの混合物。

【請求項 28】

モノクローナル抗体又はそのフラグメントである請求項 27 に記載の重鎖のみ抗体。

【請求項 29】

V_H 又はラクダ V_H (V_{HH}) 結合ドメインである請求項 28 に記載のフラグメント。

40

【請求項 30】

長く伸びたラクダ様 C D R 3 ループを欠いている請求項 29 に記載の V_H 結合ドメイン。

【請求項 31】

長く伸びたラクダ様 C D R 3 ループを含む請求項 29 に記載の V_H 結合ドメイン。

【請求項 32】

請求項 1～26 のいずれか一つに定義されている異種の重鎖遺伝子座を含むベクター。

【請求項 33】

請求項 32 に記載のベクターで形質転換された宿主細胞。

【請求項 34】

請求項 1～26 のいずれか一つに定義されている異種の重鎖遺伝子座を発現するトラン

50

スジエニック哺乳類。

【請求項 3 5】

内因性抗体遺伝子を発現する能力を低下させた請求項 3 4 に記載のトランスジェニック哺乳類。

【請求項 3 6】

免疫療法用の薬剤を調製における、請求項 2 7 ~ 3 1 のいずれか一項に記載の重鎖のみ抗体又はそのフラグメントの使用。

【請求項 3 7】

診断剤、試薬、抗体酵素又は阻害剤としての請求項 2 7 ~ 3 1 のいずれか一項に記載の重鎖のみ抗体又はそのフラグメントの使用。

【請求項 3 8】

請求項 2 7 ~ 3 1 のいずれか一項に記載の重鎖のみ抗体又はそのフラグメントと薬理学的に適切な担体とを含む医薬組成物。

【請求項 3 9】

(a) 請求項 3 4 又は請求項 3 5 に記載のトランスジェニック哺乳類に抗原を注射するステップと、

(b) 目的とする抗原特異的重鎖のみ抗体を発現する細胞又は組織を単離するステップと、

(c) ステップ (b) の細胞又は組織からハイブリドーマを產生するステップと、

(d) 前記ハイブリドーマ由来の重鎖のみ抗体の mRNA を、次に哺乳類、植物、昆虫、微生物、真菌又は代替の系などの異種発現系中に產生するため、任意選択的にクローン化するステップと、

(e) ステップ (c) 由来の V_H ドメインをクローン化するステップと、

(f) 単一又は複数の V_H ドメインだけを又は融合タンパク質として、細菌、酵母又は代替の発現系中に発現させるステップと

を含む請求項 2 7 ~ 3 1 のいずれか一項に記載の重鎖のみ抗体を產生させ選択する方法

。

【請求項 4 0】

(a) 請求項 3 4 又は請求項 3 5 に記載のトランスジェニック哺乳類に抗原を注射するステップと、

(b) 目的とする抗原特異的重鎖のみ抗体を発現する細胞又は組織を単離するステップと、

(c) 単離された細胞又は組織から得られた mRNA 由来の V_H 遺伝子座をクローン化し、

(d) ファージの又は類似のライブラリーを使って、コードされているタンパク質をディスプレイするステップと、

(e) 単一又は複数の抗原特異的 V_H ドメインを同定するステップと、

(f) 単一又は複数の V_H ドメインだけ又は融合タンパク質として、細菌、酵母又は代替の発現系中に発現させるステップと

を含む請求項 2 7 ~ 3 1 のいずれか一項に記載の V_H 結合ドメインを產生させ選択する方法。

【請求項 4 1】

第一の重鎖及び第二の重鎖の二量体を含む結合ポリペプチド複合体であって、

各重鎖が、結合ドメイン、エフェクター部分及び二量体化ドメインを含み、

第一の重鎖の結合ドメインが、第二の重鎖の結合ドメインの特異性と同じ特異性又は異なる特異性を有してもよく、

第一の重鎖のエフェクター部分が、第二の重鎖のエフェクター部分と同じ又は異なる機能を有してもよい

結合ポリペプチド複合体。

【請求項 4 2】

10

20

30

40

50

二量体化ドメインが同一である請求項 4 1 に記載の結合ポリペプチド複合体。

【請求項 4 3】

特定の又は各二量体化ドメインが、免疫グロブリンの重鎖遺伝子のいずれかのクラスから誘導される少なくとも C_H2、C_H3 及び任意選択的に C_H4 の抗体定常ドメインを含む請求項 4 1 又は請求項 4 2 に記載の結合ポリペプチド複合体。

【請求項 4 4】

一对の重鎖及び一对のエフェクター（軽）鎖を含むポリペプチド複合体であって、
一对の重鎖が互いに会合し、
一方のエフェクター（軽）鎖が一方の重鎖と会合し、残りのエフェクター（軽）鎖が残りの重鎖と会合し、
各重鎖が、結合ドメイン、二量体化ドメイン及びエフェクター部分を含み、
エフェクター（軽）鎖が、エフェクター部分に連結された相補的会合ドメインを含み、そして
重鎖のエフェクタードメイン及びエフェクター（軽）鎖の相補的会合ドメインが、非共有相互作用によって互いに会合している、
ポリペプチド複合体。

【請求項 4 5】

二量体化ドメインが、免疫グロブリンの重鎖遺伝子のいずれかのクラスから得られる、少なくとも C_H2、C_H3 及び任意選択的に C_H4 の抗体定常領域を含む請求項 4 4 に記載の結合ポリペプチド複合体。

【請求項 4 6】

エフェクター（軽）鎖のエフェクター部分が、酵素、毒素、結合ドメイン、血清安定剤、細胞又は造影剤である請求項 4 1 ~ 4 5 のいずれか一項に記載のポリペプチド複合体。

【請求項 4 7】

重鎖のエフェクター部分が、酵素、毒素、結合ドメイン、血清安定剤又は造影剤である請求項 4 1 ~ 4 6 のいずれか一項に記載のポリペプチド複合体。

【請求項 4 8】

エフェクター部分が、相補的会合ドメインにペプチド結合している請求項 4 1 ~ 4 7 のいずれか一項に記載のポリペプチド複合体。

【請求項 4 9】

重鎖の定常ドメインが、 α ドメイン、 β ドメイン、 γ ドメイン又は μ ドメインである請求項 4 1 ~ 4 8 のいずれか一項に記載のポリペプチド複合体。

【請求項 5 0】

重鎖が各々 C_H4 ドメインを含有し、定常ドメインが α ドメインであり、ポリペプチド複合体が J 鎖を含む請求項 4 1 ~ 4 9 のいずれか一項に記載のポリペプチド複合体。

【請求項 5 1】

重鎖が各々 C_H4 ドメインを含み、定常ドメインが μ ドメインであり、ポリペプチド複合体が J 鎖を含む請求項 4 1 ~ 4 9 のいずれか一項に記載のポリペプチド複合体。

【請求項 5 2】

複数の重鎖二量体と一つの J 鎖を含む結合ポリペプチド複合体であって、
複数の重鎖二量体が J 鎖によって会合され、
各重鎖が、可溶性結合ドメイン及び同一の μ C_H2、C_H3 及び C_H4 ドメインを含み、そして
結合ポリペプチド複合体中に異なる特異性を有する少なくとも二つの可溶性結合ドメインが存在している、
結合ポリペプチド複合体。

【請求項 5 3】

異なる特異性の結合ドメインが二つだけ存在している請求項 5 2 に記載の結合ポリペプチド複合体。

【請求項 5 4】

10

20

30

40

50

各重鎖が、さらに、結合ドメインと二量体化ドメインの間にヒンジドメインを含み、エフェクター部分と二量体化ドメインの間にヒンジ様ドメインを含む請求項41～53のいずれか一項に記載の結合ポリペプチド複合体

【請求項55】

特定の又は各結合ドメインがV_{HH}ドメインである請求項41～54のいずれか一項に記載のポリペプチド複合体。

【請求項56】

結合ドメインが、任意の生物由来の修飾されたV_Hドメインである請求項41～54のいずれか一項に記載のポリペプチド複合体

【請求項57】

結合ドメインが、哺乳類の細胞接着ポリペプチド複合体、原核細胞接着ポリペプチド複合体又はウイルス細胞接着ポリペプチド複合体である請求項41～54のいずれか一項に記載のポリペプチド複合体。

【請求項58】

結合ドメインが、サイトカイン、成長因子、受容体のアンタゴニストもしくはアゴニスト又はリガンドである請求項41～54のいずれか一項に記載のポリペプチド複合体。

【請求項59】

請求項41～58のいずれか一項に記載のポリペプチド複合体の鎖の一方をコードする単離されたポリヌクレオチド。

【請求項60】

請求項59に記載の単離されたポリヌクレオチドを含むクローン化ベクター又は発現ベクター。

【請求項61】

第一の重鎖をコードする請求項59に記載の単離されたポリヌクレオチド及び第二の重鎖をコードする請求項59に記載の単離されたポリヌクレオチドを含有し、その第一の重鎖の可溶性結合ドメインが第二の重鎖の可溶性結合ドメインと異なる特異性を有するクローン化ベクター又は発現ベクター。

【請求項62】

請求項44に記載のポリペプチド複合体の重鎖をコードする請求項59に記載の単離されたポリヌクレオチド及び請求項44に記載のポリペプチド複合体の軽鎖をコードする請求項59に記載の単離されたポリヌクレオチドを含有するクローン化ベクター又は発現ベクター。

【請求項63】

請求項60～62のいずれか一項に記載の発現ベクターで形質転換された宿主細胞。

【請求項64】

請求項63に記載の宿主細胞を培養するステップとポリペプチド複合体を単離するステップを含む請求項41～58のいずれか一項に記載のポリペプチド複合体の製造方法。

【請求項65】

宿主細胞を、第一の重鎖をコードする第一のポリヌクレオチド及び第二の重鎖をコードする第二のポリヌクレオチドで形質転換するステップと、

これら二つのポリヌクレオチドのコーディング配列を発現させる条件下で、宿主細胞を増殖させるステップと、

宿主細胞からポリペプチド複合体を回収するステップと

を含む請求項41～58のいずれか一項に記載のポリペプチド複合体の製造方法。

【請求項66】

宿主細胞を、軽鎖をコードするポリヌクレオチドで形質転換するステップをさらに含む請求項64又は請求項65に記載の方法。

【請求項67】

宿主細胞を、第一の軽鎖をコードする第一のポリヌクレオチド及び第二の軽鎖をコードする第二のポリヌクレオチドで形質転換するステップをさらに含み、そして第一の軽鎖の

10

20

30

40

50

可溶性エフェクタードメインが、第二の軽鎖の可溶性エフェクタードメインと異なる請求項 6 6 に記載の方法。

【請求項 6 8】

エフェクター鎖が、ペプチド化学又はペプチドのコンジュゲーションなどの合成法で製造される請求項 4 1 ~ 5 8 のいずれか一項に記載のポリペプチド複合体の製造方法。

【請求項 6 9】

請求項 4 1 ~ 5 8 のいずれか一項に記載のポリペプチド結合複合体を含む医薬組成物。

【請求項 7 0】

疾患を予防又は治療するのに使用する薬剤を調製における請求項 4 1 ~ 5 8 のいずれか一項に記載のポリペプチド結合複合体の使用。

10

【請求項 7 1】

免疫療法に使用するため、組み合わせて、別個に又は連続して投与する請求項 4 1 ~ 5 8 のいずれか一項に記載のポリペプチド結合複合体の重鎖とエフェクター鎖。

【請求項 7 2】

治療を必要とする患者に、請求項 4 1 ~ 5 8 のいずれか一項に記載のポリペプチド結合複合体又は請求項 6 9 に記載の医薬組成物を投与することを含む患者の治療方法。

【請求項 7 3】

請求項 4 1 ~ 5 8 のいずれか一項に記載のポリペプチド結合複合体の診断剤、試薬、抗体酵素、阻害剤、細胞化学試薬又は診断試薬としての使用。

20

【発明の詳細な説明】

【技術分野】

【0 0 0 1】

本発明は、親和性成熟による機能性重鎖のみ抗体 (functional heavy chain-only antibody) の多様なレパートリーの製造及びその使用に関する。また本発明はクラス特異的重鎖のみ抗体の多様なレパートリーの製造と使用、並びに抗体重鎖の機能、好ましくは抗体重鎖の結合機能、定常領域のエフェクター活性及び任意選択的に追加のエフェクター機能を有する多価ポリペプチド複合体の製造と使用に関する。

【0 0 0 2】

本発明はまた、抗原の投与に応答して十分に機能性の重鎖のみ抗体をトランスジェニックマウス中で生成させる方法に関する。特に本発明は、任意のクラス又は混合したクラスのヒトの抗原に特異的で高親和性の重鎖のみ抗体を生成させ、十分に機能性の VH 抗原結合ドメインを単離し発現させる方法に関する。

30

【0 0 0 3】

本発明はまた、重鎖の機能、好ましくは重鎖のエフェクター活性及び他の結合機能とエフェクター機能を含む多価ポリペプチド複合体の生成に関する。

【0 0 0 4】

本発明の方法を使用することによって生成した重鎖のみ抗体と他の多価結合複合体及びそれらの使用についても述べる。

【背景技術】

【0 0 0 5】

モノクローナル抗体又はその異型は、21世紀に送り出される新薬の高い比率を占めるであろう。モノクローナル抗体療法は、リウマチ様関節炎やクローン病を治療するのに好ましい方法としてすでに容認されており、癌の治療に目覚しく進出している。また心臓血管疾患や感染症を治療するための抗体ベースの製品も開発中である。市販されている大部分のモノクローナル抗体の製品は、標的のリガンド（例えば TNF ）の单一の明確なエピトープを認識してこれと結合する。治療用のヒトモノクローナル抗体は、依然として、哺乳類の細胞を培養する方法で製造されている。二つの重鎖と二つの軽鎖からなる複合体 (H₂L₂ 複合体) の会合と、それに続く翻訳後グリコシル化を行なう工程が、細菌系を使用することを妨げている。哺乳類細胞の培養によって抗体を製造するための製造コストと

40

50

資本コストは高額なので、容認できる代替手段がないと抗体ベースの治療の可能性を制限してしまう恐れがある。各種のトランスジェニック生物は、十分な機能を有する抗体を発現できる。これらの生物としては植物、昆虫、鶏、ヤギ及びウシがあるが、市販の治療用製品を製造するのに今まで使われていない。

【0006】

機能性抗体のフラグメントは、大腸菌 (*E. coli*) 中で製造できるが、一般に、その製品は、ペグ化 (pegylate) されないと、製造工程中、血清安定性が低い。

【0007】

二重特異性抗体の複合体は、同じ又は異なる抗原の二つの異なるエピトープに結合できる遺伝子工学的に処理された Ig ベースの分子である。抗体を単独で又は他の結合因子と組み合わせて取り入れている二重特異性結合タンパク質は、獲得されたヒトの免疫機能が、治療効果、例えば病原体の排除 (Van Spriel et al., (1999) *J. Infect. Diseases*, 179, 661 - 669; Tacken et al., (2004) *J. Immunol.*, 172, 4934 - 4940; 米国特許第 5,487,890 号)、癌の治療 (Glennie and van der Winkel, (2003) *Drug Discovery Today*, 8, 503 - 5100)、及び免疫療法 (Van Spriel et al., (2000) *Immunol. Today*, 21, 391 - 397; Segal et al., (2001) *J. Immunol. Methods*, 248, 1 - 6; Lyden et al., (2001) *Nat. Med.*, 7, 1194 - 1201) を引き出す治療法の将来性を示している。10

【0008】

二重特異性抗体の製品が二つ以上の H₂L₂ 複合体に基づいていると、製造上の問題が悪化する。例えば、重鎖と軽鎖の遺伝子の二つ以上の組合せが共発現すると、10種類もの組合せが生じてそのうち一種類だけが所望のヘテロ二量体であることがある (Suresh et al., (1986) *Methods Enzymol.*, 121, 210 - 228)。20

【0009】

この問題を解決するため、重鎖エフェクターの機能を保持している二重特異性 IgG 全長 (BsIgG) を哺乳類の細胞中で産生させる多くの方法が開発されている。BsIgG は、ヘテロ二量体が生成するのを避けるため遺伝子工学的に処理された「knob and hole」重鎖を必要とし、かつ L 鎖の誤対合を回避するため同じ L 鎖を利用する (Carter, (2001) *J. Immunol. Methods*, 248, 7 - 15)。化学的に架橋する代替法としては、各々異なる抗原を認識する抗体フラグメントから複合体を製造する方法 (Ferguson et al., (1995) *Arthritis and Rheumatism*, 38, 190 - 200) 又は他の結合タンパク質、例えばコレクチン類を抗体フラグメントに架橋させる方法 (Tacken et al., (2004) *J. Immunol.*, 172, 4934 - 4940) が記述されている。30

【0010】

一般に重鎖のエフェクター機能を欠いているダイアボディ (diabody) 又はミニ抗体 (BsAb) の開発によってもヘテロ二量体の重複が克服されている。これらの抗体は、VH 結合部位と VL 結合部位を持つ最小一本鎖抗体 (scFv) を含み、その結合部位はその後折り畳まれて二量体になり、その抗体の標的抗原各々に対して一価である二価の二重特異性抗体を生成する (Hollier et al., (1993) *PNAS*, 90, 6444 - 6448; Muller et al., (1998) *FEBS Letters*, 422, 259 - 264)。場合によっては、CH1 ドメインと L 定常ドメインが、二重特異性ミニ抗体を生成するためのヘテロ二量体化ドメインとして使用されている (Muller et al., (1998) *FEBS Letters*, 259 - 264)。BsAb を製造するため、大腸菌発現系に基づいた各種組換え法が開発されているが4050

(Hudson, (1999) *Curr. Opin. Immunol.*, 11, 548 - 557)、臨床グレードの多価抗体物質の製造コストと製造規模が依然として臨床的開発に対して主な障害になっている (Segal et al., (2001) *J. Immunol. Methods*, 248, 1 - 6)。

【0011】

最近、BsAbの概念が拡大されて、H鎖とL鎖のV_HドメインとV_Lドメインが遺伝子工学的に処理されたscFv結合ドメインで置換されたジ-ダイアボディ (Di-dia body) すなわち四価の二重特異性抗体が含まれる。このような構造体は、遺伝子工学的に処理することは複雑であるが、ヘテロ二量体の重複無しで、培養中の哺乳類細胞中で会合できる (Lu et al., (2003) *J. Immunol. Methods*, 279, 219 - 232)。
10

【0012】

免疫グロブリンの構造は当分野では周知である。大部分の天然免疫グロブリンは二つの重鎖と二つの軽鎖を含む。これらの重鎖は、各重鎖に沿ってそのほぼ中央に位置するヒンジドメインの間のジスルフィド結合によって互いに連結されている。軽鎖は、上記ヒンジドメインのN末端側の各重鎖と会合している。各軽鎖は通常、上記ヒンジドメインの近くのジスルフィド結合によって、それぞれの重鎖に結合している。

【0013】

Ig分子が正しく折りたたまれると、各鎖は、より線状のポリペプチド配列によって連結された多数の別個の球状ドメインになる。例えば、軽鎖は折りたたまれて可変ドメイン (V_L) と定常ドメイン (C_L) になる。重鎖は、軽鎖の可変ドメインに隣接する単一の可変ドメインV_H、第一定常ドメイン、ヒンジドメイン及び二つ又は三つのさらなる定常ドメインを有する。重鎖の可変ドメイン (V_H) と軽鎖の可変ドメイン (V_L) は相互に作用して抗原結合領域 (Fab) を生成する。一般に、V_HとV_Lの両者は、抗原と結合するためには必要であるが、重鎖の二量体とアミノ末端フラグメントは、軽鎖無しで活性を保持していることが分かっている (Jaton et al., (1968) *Biochemistry*, 7, 4185 - 4195)。
20

【0014】

新しい分子生物学の技術の出現によって、重鎖のみ抗体（軽鎖が欠落している）が、ヒト及びネズミモデル系のB細胞増殖性障害（重鎖病）に存在することが確認された。重鎖病を分子レベルで分析した結果、ゲノムのレベルでの突然変異と欠失が重鎖C_H1ドメインの不適切な発現を起こして、軽鎖と結合する性能が欠けている重鎖のみ抗体の発現を生じることが分かった (Hendershot et al., (1987) *J. Cell Biol.*, 104, 761 - 767; Brandt et al., (1984) *Mol. Cell. Biol.*, 4, 1270 - 1277 参照)。
30

【0015】

ファージのライブラリーから誘導して単離されたヒトV_Hドメインに関する別の研究は、V_Hドメインの抗原特異的結合を証明したが、これらのV_Hドメインは溶解性が低いことが証明された。さらに、ファージのアレイにディスプレイされた特異的結合特性を有するヒトV_Hドメインを選択すると、遺伝子工学的に処理された抗体の基本構造を形成できることが示唆された (Ward et al., (1989) *Nature*, 341, 544 - 546)。
40

【0016】

他の脊椎動物の種を使用した研究は、ラクダ類が、自然遺伝子突然変異の結果、C_H1軽鎖結合領域が無いため軽鎖に結合できない機能性IgG2及びIgG3の重鎖のみ二量体を生成すること (Hamers-Casterman et al., (1993) *Nature*, 363, 446 - 448) 及びサメなどの種が、恐らく哺乳類のT細胞受容体又は免疫グロブリンの軽鎖に類縁の重鎖のみ様結合タンパク質ファミリーを生成すること (Stanfield et al., (2004) *Science*, 305, 1770 - 1773) を示した。ラクダの重鎖のみ抗体の特性を決定する特徴は、ラクダV_Hド
50

メインがヒト V_H ドメインと比べて溶解度が改善されていることである。ヒト V_H は、遺伝子工学的に処理して溶解度の特性を改善できるであろうし (Davies and Riechmann (1996) Protein Eng., 9 (6), 531 - 537; Lutz and Muylderermans, (1999) J. Immunol. Methods, 231, 25 - 38 参照) 又は溶解度はインビオで自然選択で獲得されうる (Tanhah et al., (2001) J. Biol. Chem., 276, 24774 - 24780 参照)。しかし、 V_H 結合ドメインがファージライブリーカーから誘導されると、抗原に対する固有親和力は、例えばアフィニティーホットスポットランダマイゼーション (affinity hot spot randomisation) を含む親和力改善法を適用しても低マイクロモル～高ナノモルの範囲内に留まっている (Yau et al., (2005) J. Immunol. Methods, 297, 213 - 224)。

10

【0017】

また、ラクダの V_H 抗体は修飾された CDR3 ループが特徴である。この CDR3 ループは、平均して、非ラクダ抗体に見られるものより長く、抗原の親和力と特異性の全体に対して大きく影響すると考えられる特徴であり、ラクダの重鎖のみ抗体の種に V_L ドメインが無いことを補償している (Desmyter et al., (1996) Nat. Struct. Biol., 3, 803 - 811; Riechmann and Muylderermans, (1999) J. Immunol. Methods, 23, 25 - 28)。

20

【0018】

ラクダの抗体に関する最近の構造研究は、抗体の多様性が、V(D)J 組換え事象と細胞変異によるインビオ成熟プロセスによりほとんど推進されることを示唆している (De Gennst et al., (2005) J. Biol. Chem., 280 (14), 14114 - 14121)。

【0019】

最近、トランスジェニック哺乳類で重鎖のみ抗体を製造する方法が開発された (WO 02 / 085945 及び WO 02 / 085944 参照)。任意の哺乳類 (ヒトを含む) から誘導される任意のクラス (IgM、IgG、IgD、IgA 又は IgE) の機能性重鎖のみ抗体は、抗原を投与することによってトランスジェニック哺乳類 (好ましくはマウス) から製造できる。

30

【0020】

通常の免疫グロブリン重鎖の遺伝子座は、複数の V 遺伝子のセグメント、多数の D 遺伝子のセグメント及び多数の J 遺伝子のセグメントを含む。各 V 遺伝子セグメントは、V ドメインの N 末端からほとんど C 末端までをコードしている。各 V ドメインの C 末端は、一つの D 遺伝子のセグメントと一つの J 遺伝子のセグメントでコードされている。VDJ が B 細胞中で再構成し、続いて親和性成熟して、 V_L 結合ドメインとともに抗原を認識する部位すなわち抗原と結合する部位を形成する、 V_H 結合ドメインを提供する。重鎖の $C_H 1$ 領域及び軽鎖の 領域もしくは 領域によって、重鎖と軽鎖が相互に作用し易くなる。

40

【0021】

重鎖のみ抗体を製造するため、生殖細胞系の重鎖遺伝子座は、予定される定常領域のいくらか又は全体をコードする遺伝子セグメントを含む。成熟過程で、再構成した V_H 結合ドメインは、 $C_H 2$ 定常領域をコードするセグメント中にスプライスされて、 $C_H 1$ ドメインを欠いた重鎖をコードする再構成遺伝子を提供し、その結果免疫グロブリンの軽鎖と会合できなくなる。

【0022】

重鎖のみモノクローナル抗体は、標準のクローン化技術で脾臓の B 細胞から又はファージディスプレイ法で B 細胞の mRNA から回収できる (Ward et al., (1989) Nature, 341, 544 - 546)。ラクダ又はトランスジェニック動物から誘導される重鎖のみ抗体は高い親和力を有する。通常の H_2L_2 四量体の配列を分析した

50

結果は、多様性が、主として、V D J の再構成及び体細胞の超変異の組合わせから生じることを示している (Xu and Davies, (2000) *Immunity*, 13, 37 - 45)。発現された重鎖のみmRNAの配列を分析した結果は、ラクダで産生されようと又はトランスジェニック動物で産生されようとも、上記観察結果を支持している (De Gennst et al., (2005) *J. Biol. Chem.*, 280, 14114 - 14121)。

【0023】

天然のラクダ及びヒトのV_H領域の重要な共通の特徴は、各領域がモノマーとして結合し、V_L領域との二量体化に依存せずに最適の溶解度と結合親和力が得られることである。これらの特徴は、特にプロッキング剤や組織浸透剤を製造するのに適していることはすでに知られている。10

【0024】

ホモ二量体又はヘテロ二量体は、重鎖のみ抗体を酵素で切断することで又は合成法で製造することもできる (Jaton et al., (1968) *Biochemistry*, 7, 4185 - 4195 及び米国特許願公開第2003/0058074 A1号)。しかし、抗体のモノマー結合ドメインの利点は、やはり、多量体タンパク質を、試薬、治療剤及び診断剤として設計するときに有効に利用すべきである。

【0025】

ファージディスプレイ法で製造されるヒトV_H又はラクダV_{HH}は、体細胞の突然変異並びに通常の抗体結合部位のCDR3領域におけるDとJの領域組換えによって提供される追加の多様性 (Xu and Davies, (2000) *Immunity*, 13, 37 - 45) によって改善される特性の利点を欠いている。ラクダのV_{HH}はヒトのV_Hと比べて溶解度の利点を示しているが、ヒトにおいては抗原性なのでラクダを免疫することによって又はファージディスプレイ法によって製造しなければならない。20

【0026】

V_H結合ドメインを取り込むことは、特異性と結合力を失う可能性を伴ってV_HドメインとV_Lドメインとから遺伝子工学的に製造しなければならないscFvを使用するより明らかに有利である。T細胞などの類縁遺伝子ファミリー又はサメ免疫グロブリンのファミリーから誘導されるV_H結合ドメインも、二重又は多重の特異性結合分子を製造するためのscFvの代替物を提供する。他の天然産の結合タンパク質及びそのドメイン、例えば可溶性受容体のフラグメントも使用されてもよい。30

【0027】

抗体のクラスはその生理学的機能が異なっている。例えば、IgGは成熟免疫応答に主要な役割を演じている。IgMは補体の結合と凝集に関与している。IgAは分泌物すなわち涙液、唾液、初乳、粘液におけるIgの主要クラスであるので、局所免疫で役割を演じている。多価結合複合体を遺伝子工学的に製造するときにクラス特異的な重鎖定常領域を含むことにより、必要な機能に応じて、インビボでエフェクター機能の治療利益を提供する。個々のエフェクター領域を遺伝子工学的に処理して、機能を付加したり又は削除できる (Van Dijk and van der Winkel, *Curr. Opin. Chem. Biol.*, (2001) Aug 5 (4), 368 - 374)。親和力の高いV_H結合ドメインを含む重鎖のみ抗体を最適に製造し選択することは(その起源がヒト、ラクダ又はその外の起源であろうとも)、代替方法からインビボでの組換えと親和性成熟を促進しない無作為化ファージライブリーカーからの選択による方法にまで利益を与えると思われる。40

【0028】

したがって、IgAの定常ドメインの機能を含むと、病原体に対する粘膜の機能が改善され (Leher et al., (1999) *Exp. Eye. Res.*, 69, 75 - 84)、一方IgG1の定常領域の機能が存在すると、インビボでの血清安定性が向上する。重鎖のC_H2とC_H3の定常ドメインが存在すると、天然の抗体類に見られるような安定な二量体化のための基盤を提供し、かつ翻訳後グリコシル化のための認識部位を提供

する。C_H2とC_H3の存在は、二重特異性で多価の複合体が試薬及び診断剤として使用されるとき、二次抗体の認識をも可能にする。

【0029】

単離されて予め再構成されたラクダの重鎖のみ可変領域の配列は、ヒンジ領域とヒトIgG1エフェクタードメインの前に予めクローン化され、ベクター中に挿入され、COS細胞中で発現されて抗体を生成する。このインビトロの環境で発現された抗体は、ラクダ中のインビボでクラス（イソタイプ）のスイッチングと親和性成熟（超変異）のプロセスをすでに受けしており、抗原に結合できる（Riechmann and Muyldermans, (1999) J. Immunol. Methods, 231, 25-38）。

10

【0030】

当分野では、重鎖のみ抗体の多様性とインビボでのB細胞応答性を最大にして、特に、多様な臨床、産業及び研究の用途で使用するために、最大の抗原結合能力を保持するクラス特異的ヒト重鎖のみ抗体及び機能性V_H重鎖のみ結合ドメインの機能レパートリーを製造することが依然として要求されている。

【0031】

また、当分野では、抗体の重鎖の少なくとも一部、抗体重鎖単独、又はこれを生理学的に安定でエフェクター機能を有するエフェクター（軽）鎖と組み合わせて含む、可溶性の二価又は多価のポリペプチド結合複合体を製造することも依然として要求されている。

20

【発明の開示】

【0032】

本発明は、C_H1ドメインをコードしていない重鎖定常領域を含み、そして発現されると、定義された单一又は複数のクラスの重鎖のみ抗体を產生できる異種のV_H重鎖遺伝子座又はラクダV_H（V_{HH}）重鎖遺伝子座をトランスジェニック哺乳類内で発現させるステップを含む、トランスジェニック哺乳類内でV_H重鎖のみ抗体又はラクダV_H（V_{HH}）重鎖のみ抗体を製造する方法を提供する。

【0033】

V_H重鎖遺伝子座又はラクダV_H（V_{HH}）重鎖遺伝子座は、一つ以上のラクダV遺伝子セグメント又は非ラクダV遺伝子セグメントを含んでもよい。このV遺伝子セグメントは、改善された溶解度特性を示すように選択するか又は遺伝子工学的に処理されることが好ましい。そのV遺伝子セグメントはヒト由来であるのが好ましい。

30

【0034】

重鎖遺伝子座の重鎖定常領域は、C₁及び/又はC₂、C₃、C₄及び/又はC_μの重鎖定常領域遺伝子を含んでもよい。さらに、重鎖遺伝子座の重鎖定常領域は、以下の重鎖定常領域：C₁、C₂、C₃、C₄、C_μのうちの二つ以上を含んでもよい。

40

【0035】

好ましくは、V_H重鎖遺伝子座は、少なくとも一つのヒトもしくはラクダのV遺伝子セグメント、少なくとも一つのDセグメント及び少なくとも一つのJセグメントを含む可変領域を含み、そのヒトもしくはラクダのV遺伝子セグメント、D遺伝子セグメント及びJ遺伝子セグメントは組み替えてVDJコーディング配列を形成させることができる。重鎖遺伝子座は、好ましくは20個以上のD遺伝子セグメント及び/又は5個以上のJ遺伝子セグメントを含む。好ましくは、D及びJの遺伝子セグメントは、脊椎動物、好ましくはヒトが起源のものである。CDR3ループは、任意の脊椎動物由来のD及びJの遺伝子セグメントを使って作られることができ、ヒトのD及びJ遺伝子セグメントが好ましい。

【0036】

V_H重鎖遺伝子座は、J遺伝子セグメントを重鎖定常領域遺伝子と直接組換えることができる組換え配列（rss）を含んでもよい。

【0037】

異種重鎖遺伝子座の重鎖定常領域は、起源がヒト又は脊椎動物例えはラクダのものである。あるいは、その定常領域は、免疫グロブリン重鎖が起源でないものでもよい。

50

【0038】

好ましくは、本発明の方法によってほぼ正常のB細胞が成熟する。本発明は、本発明の方法で得られるか得ることができる重鎖のみ抗体もしくはそのフラグメント又は重鎖のみ抗体のクラスの混合物を提供する。この重鎖のみ抗体は、モノクローナル抗体又はそのフラグメント、例えばヒトもしくはラクダのV_H結合ドメインなどでもよい。本発明のV_H結合ドメインは、長く伸びたラクダ様CDR3ループを欠いていてもよく、あるいは長く伸びたラクダ様CDR3ループを含んでもよい。

【0039】

本発明は、本発明の異種重鎖遺伝子座を含むベクター及びこののようなベクターで形質転換された宿主細胞も提供する。

10

【0040】

また本発明は、本明細書に記載されている異種の重鎖遺伝子座を発現するトランスジェニック哺乳類も提供する。好ましくは、本発明のトランスジェニック哺乳類は、軽鎖を含む抗体を产生する能力が低い。

【0041】

本発明は、免疫療法用の薬剤を調製における本発明の重鎖のみ抗体又はそのフラグメントの使用も提供する。本発明の重鎖のみ抗体は、診断剤、試薬、抗体酵素又は阻害剤として使用することもできる。本発明はまた、本発明の重鎖のみ抗体もしくはそのフラグメント及び薬理学的に適正な担体を含む医薬組成物も提供する。

20

【0042】

本発明は、

(a) 抗原を、本明細書に記載したようなトランスジェニック哺乳類に注射するステップと、

(b) 目的とする抗原特異的重鎖のみ抗体を発現する細胞又は組織を単離するステップと、

(c) ステップ(b)の細胞又は組織からハイブリドーマを產生するステップと、

(d) 前記ハイブリドーマ由来の重鎖のみ抗体mRNAを、次に哺乳類、植物、昆虫、微生物、真菌又は代替の系などの異種発現系中に產生させるため、任意選択的にクローン化するステップと

を含む重鎖のみ抗体を產生させて選択する方法を提供する。

30

【0043】

次いで、V_H結合ドメインを、ステップ(c)のクローン化mRNA由来の抗原特異的V_Hドメインを同定し単離することによって製造できる。

【0044】

また、本発明のV_H結合ドメインは、

(a) 抗原を本明細書に記載のトランスジェニック哺乳類に注射するステップと、

(b) 目的とする抗原特異的重鎖のみ抗体を発現する細胞又は組織を単離するステップと、

(c) 上記単離された細胞又は組織から得られたmRNAからV_H遺伝子座をクローン化するステップと、

(d) ファージ又は類似のライブラリーを使ってコード化されたタンパク質をディスプレイするステップと、

(e) 一種又は複数種の抗原特異的V_Hドメインを同定するステップと、

(f) 上記一種もしくは複数種のV_H結合ドメインだけを、又は融合タンパク質として細菌、酵母又は代替の発現系に発現させるステップと

40

によって製造することもできる。

【発明を実施するための最良の形態】

【0045】

本発明者らは、従来技術の限界を克服し、トランスジェニック動物の特にマウスに、「マイクロ遺伝子座(micro loci)」を使って、形質細胞又はB細胞が分泌する

50

クラス特異的重鎖のみ抗体又は異なるクラスの重鎖のみ抗体の混合物を產生させることができることを示したのである。次にこれらは、確立されたハイブリドーマの技術を使ってクラス特異的重鎖のみ抗体の信頼性の高い供給源を作製するために使用するか、又は機能性ラクダ V_H (V_{HH}) 結合ドメイン、もしくは V_H 重鎖のみ結合ドメイン、好ましくはヒトが起源の可溶性 V_H 重鎖のみ結合ドメインの原料として使用することができる(これらの結合ドメインはエフェクター機能は無いが結合機能は保持している)。

【0046】

本発明の方法で生成させることができる重鎖のみ抗体(ラクダ抗体を含む)は高い結合親和力を示すが、これは、一般に伸長した C D R 3 ループ無しの V、D 及び J 遺伝子セグメントの再構成と体細胞変異で生じる。本質的に正常な B 細胞の成熟は、単離された形質細胞中に存在する重鎖のみ抗体のレベルが高いとき(C_H1 ドメインが、組換え遺伝子座中に存在する全ての抗体クラスから除かれている場合)に観察される。B 細胞の成熟及び会合された二量体(例えば I g G)又は多量体(例えば I g M)の分泌は、軽鎖遺伝子の存在又は発現とは無関係である。

10

【0047】

トランスジェニックマウス由来のハイブリドーマから単離された抗原特異的重鎖をコードする抗原特異的 m R N A のスクレオチド配列分析を行なった結果、重鎖抗体の多様性は、主として V D J 組換えの機能であることが証明された。さらに、本発明者らは、抗体の多様性は、V_H ドメインの体細胞変異の関与が一層制限された形で重鎖のみ抗体の機能性抗原結合ドメインの C D R 3 領域で発生することを示した。本明細書に記載の方法を使って、機能性 V_H ドメインを細菌系にクローン化し発現させて抗原と結合する特異性及び親和力を十分に保持した V_H 結合ドメインを生成させることができる。さらに、クラス特異的重鎖の二量体及び多量体は、培養中のハイブリドーマ細胞系に分泌させることができる。

20

【0048】

本発明はまた、トランスジェニックマウスを、抗原の投与に応答して好ましいクラスの重鎖のみ抗体、例えば I g M のみではなくて I g G のみ又は例えば I g A、I g G 及び I g M の混合物を产生するようにプログラムすることができることも教示する。

【0049】

本発明者らは、C_H1 エキソンを欠いて、ヒトの D 及び J セグメントによって二つのラマ(11 a m a) V H H 遺伝子に連結された最小のヒト I g G 重鎖定常領域遺伝子座を発現するトランスジェニックマウスの生成についてすでに述べた(WO 02 / 085945 及び WO 02 / 085944 参照)。これらは、抗原を投与されると、機能性で親和力の高い抗原特異的 I g G 重鎖のみ抗体を产生する。重鎖のみ抗体のクラス混合物(I g M と I g G)の混合物は、重鎖定常領域を直列に並べて取り込む遺伝子構造を利用したインピボでのクラススイッチによって得られることがある(全ての定常領域遺伝子が C_H1 ドメインを欠いていて C_H4 ドメインが存在している場合)。

30

【0050】

本明細書で述べる改善は、ヒトの D と J のセグメントによって二つのラマ V_{HH} 遺伝子に連結された同じ I g G 定常領域遺伝子座、及び C_H1 エキソンを欠いていて同じヒト D と J の遺伝子セグメントによって二つのラマ V_{HH} 遺伝子に連結されたヒト I g M 定常領域遺伝子座を組み込んだマウスも、高分子量の(多量体の) I g M 重鎖のみ抗体及び I g G(二量体)重鎖のみ抗体を产生することである。驚くべきことには、本質的に正常な B 細胞の成熟と抗体の产生は、トランスジェニック遺伝子座中に存在する各重鎖定常領域からの C_H1 配列の完全な欠失によっている。さらに、C_H4 エキソンは、存在していても除く必要は全く無い。

40

【0051】

したがって、例えば、同じヒトの D と J の遺伝子セグメントによって二つのラマ V 遺伝子セグメントに連結された機能性 C_H1 エキソンを有するヒト I g M 重鎖遺伝子座、及び同じヒトの D と J の遺伝子セグメントによって二つのラマ V 遺伝子セグメントに連結され

50

た $C_H 1$ エキソンを欠いた IgG 定常重鎖領域遺伝子座を保持するトランスジェニック動物は、非常に低いレベルの重鎖のみ抗体を产生し、B細胞の成熟の証拠を示さない。

【0052】

$C_H 4$ ドメインを含む他のエフェクタードメインは組み込まれても組み込まれなくてもよく、要求されるとおりに、生成する重鎖のみ抗体にエフェクターの特徴を導入するか、又は除くことができる。

【0053】

本発明者らは、抗体を产生する発現（すなわち、B細胞の成熟）がその構造中に存在するV遺伝子セグメントを利用することから起こり得ることを発見したのである。B細胞から誘導された抗体mRNAを単離して配列を決定することにより、DとJの遺伝子セグメントの組換えがCDR3の多様性を生み出すことを示している。生成した V_H ドメインの配列を比較すると、体細胞の突然変異が見られ、これは親和性成熟の事象が、前記組換えられたDとJの遺伝子セグメントと、発現されて生成した抗体mRNAの V_H ドメインにも起きたことを示している。

10

【0054】

好ましい構造は、可溶性を改善するために選択又は遺伝子工学的に処理され、組換えを行いCDR3を生成させるためDとJの鎖クラスターに連結されたV遺伝子セグメントを組み込む。好ましくは、そのVDJ配列は、各々 $C_H 1$ エキソンを欠いた好ましい単一又は複数の定常エフェクタードメインに対して直列に並べて連結される。

20

【0055】

本発明は、ヒトもしくはラクダのクラス特異的な重鎖のみ抗体又はヒトの V_H 結合ドメイン（好ましくは可溶性 V_H 結合ドメイン）（単独又は好ましいエフェクタードメインに連結されたもの）の誘導と產生に限定されず、DとJの遺伝子セグメントに連結された、脊椎動物が起源の任意のV遺伝子セグメントのキメラ結合体（溶解度特性を改善するため任意選択的に遺伝子工学的に処理されている）の產生も含む。そのV遺伝子セグメントは、ヒトが起源であり、ラクダ由来のV遺伝子セグメントでないものが好ましい。生成した V_H ドメインは、そのDとJのセグメントがラクダ由来のものである場合を除いては、伸長したラクダ様CDR3ループを含有していないともよい。その結果、操作的にエフェクター定常領域に作動可能に連結されたCDR3の多様性と親和性成熟を示す V_H ドメインが得られる。親和性成熟は、好ましい親のトランスジェニック脊椎動物における機能的分泌と任意選択的な会合を確実にし、その後必要な場合に、選択可能なエフェクター機能も提供する。

30

【0056】

これらの観察結果は、改善され単純化されたクラス特異的重鎖のみ抗体の遺伝子工学的処理及び体細胞変異により親和性成熟を獲得した高親和力の可溶性 V_H ドメインの誘導に対して重要な影響をもたらす。選択された重鎖定常領域エフェクター機能（ $C_H 1$ を欠いている）又はその混合物を取り込みにより、抗体の追加の遺伝子工学的処理を必要とすることなく、任意のクラスの重鎖のみ抗体又は任意の重鎖のみ抗体の混合物でも產生させることができる。 V_H ドメインは、単独で細菌などの微生物系中で発現されるか、又は培養中のハイブリドーマ又はトランスフェクトされた細胞が分泌する、エフェクタードメインを取り込んだ機能性重鎖のみ抗体として発現されることがある。ヒトが起源の抗体と V_H 結合ドメインには、医薬、診断剤及び試薬として健康管理の分野に広範囲の用途があり、平行して農業、環境及び産業向けの用途がある。

40

【0057】

したがって、本発明は、第一の態様で、異種 V_H 重鎖遺伝子座をトランスジェニック哺乳類内で発現させるステップを含むトランスジェニック哺乳類内で V_H 重鎖のみ抗体を產生させる方法を提供する。好ましくは、その V_H 重鎖遺伝子座は、 $C_H 1$ ドメインをコードしない重鎖定常領域を含み、かつ発現されるとき完全な重鎖のみ抗体の多様なレパートリーを生成できる。

【0058】

50

本発明の第一態様は、ラクダ V_H 重鎖遺伝子座をトランスジェニック哺乳類内で発現させるステップを含むトランスジェニック哺乳類内でラクダ V_H 重鎖のみ抗体の製造方法であって、その V_H 重鎖遺伝子座は $C_H 1$ ドメインをコードしない重鎖定常領域を含み、そして発現されると、抗原の投与に応答して $V D J$ が再構成されかつ親和性成熟する完全な重鎖のみ抗体の多様なレパートリーを生成できる方法も提供する。

【0059】

遺伝子工学的な処理が細胞表面の会合を妨げる分泌機構とそれに続く B 細胞の成熟に対して影響しないとき、重鎖エフェクター分子は、遺伝子工学的に処理して機能ドメイン（例えばカルボキシ末端 $C_H 4$ ドメイン）を除かれてもよい。 $C_H 1$ エキソンだけ異種遺伝子座から除かれているか又はその遺伝子座中に存在しない。例えばグリコシリ化を改善し又は機能を付加するため、遺伝子工学的に処理して遺伝子座に特徴を付け加えられてもよい。

10

【0060】

好ましくは、上記の異種遺伝子座は、発現されると、機能性の IgA、IgE、IgG、IgD 又は IgM の分子又はそのイソタイプを生成できる。個々の抗体のクラス又は抗体クラスの混合物又はそのイソタイプも生成できる。

【0061】

したがって、異種の重鎖遺伝子座は、本質的に正常な B 細胞の成熟とともに、必要な一種又は複数種の抗体クラスに応じて、重鎖のみ抗体の好ましいクラス又は混合物を生成するように設計される。ラクダの V、D 及び J 遺伝子のセグメント並びにラクダのエフェクター領域を利用すると、ラクダの独特の特徴を有するラクダ抗体、例えば伸長した CDR 3 ループを生成する。無作為に選択された、又は溶解度を高めるために選択もしくは遺伝子工学的に処理された V 遺伝子セグメントを含むヒトの V、D 及び J 遺伝子セグメントを使用すると、機能性のヒト重鎖のみ抗体を生成する。

20

【0062】

本発明で得られる抗体は、本質的に単一の又は知られたクラスの好ましくはヒトが起源の抗体である点で従来技術の抗体を超える利点を有する。これらの抗体は、VDJ の組換え及びインビオでの親和性成熟の組合せから得られる高い親和力を有する。抗体とそのフラグメントは、当業者に知られている十分に確立された方法を使って単離され、特性を決定され、そして製造できる。

30

【0063】

<異種重鎖遺伝子座>

本発明の文脈において、用語「異種」は、本明細書に記載されているように、ヌクレオチド配列又は遺伝子座が、それを配置された哺乳類にとって内在性ではないことを意味する。

【0064】

本発明の文脈において、用語「 V_H 重鎖遺伝子座」は、操作して一つ以上の重鎖エフェクター領域（各々 $C_H 1$ ドメインを欠いている）に連結された、一つ以上の V 遺伝子セグメント、一つ以上の D 遺伝子セグメント、及び一つ以上の J 遺伝子セグメントを含む V_H ドメインをコードする最小マイクロ遺伝子座に関する。好ましくは、抗体のレパートリーが変化する主な原因是、V - D 及び D - J の結合による D と J の遺伝子セグメントの選択で生成する CDR 3 領域である。

40

【0065】

本発明の利点は、再構成された V_H 遺伝子配列に得られる抗体のレパートリーと多様性は、多数の D と J の遺伝子セグメントを使用することによって最大にすることができる点である。その後の体細胞変異は、最小の遺伝子座（マイクロ遺伝子座）を使用しながら、多数の V 遺伝子セグメント又は V_L と L_C （軽鎖）免疫グロブリン遺伝子座を必要とせずに達成される。

【0066】

好ましくは、前記 V_H 重鎖遺伝子座は、任意の脊椎動物種から誘導される 2 ~ 5 個（2

50

、3、4又は5個)のV遺伝子セグメントを含む。

【0067】

好みしくは、前記V遺伝子セグメントは、ヒトが起源であり、溶解度を改善するため任意選択的に選択されるか又は遺伝子工学的に処理される。

【0068】

V_H 重鎖遺伝子座は、好みしくは、2~40個(2、3、4、5、6、7、8、9、10、12、14、16、18、20、30又は40個)以上のD遺伝子セグメントを含む。これらのD遺伝子セグメントは、任意の脊椎動物種から誘導できるが、最も好みしくは、そのD遺伝子セグメントはヒトのD遺伝子セグメント(通常、25個の機能性D遺伝子セグメント)である。

10

【0069】

V_H 重鎖遺伝子座は、好みしくは、2~20個(2、3、4、5、6、7、8、9、10、12、14、16、18又は20個)以上のJ遺伝子セグメントを含む。これらのJ遺伝子セグメントは、任意の脊椎動物種から誘導できるが、最も好みしくは、そのJ遺伝子セグメントはヒトのJ遺伝子セグメント(通常、6個のJ遺伝子セグメント)である。

【0070】

V_H 重鎖遺伝子座は、好みしくは、2個以上のV遺伝子セグメント、25個の機能性ヒトD遺伝子セグメント及び6個のヒトJ遺伝子セグメントを含む。

【0071】

用語「V遺伝子セグメント」には、ラクダ及びヒトを含む脊椎動物から誘導される天然のV遺伝子セグメントが含まれており、これらセグメントは、溶解度などの特性を改善するため任意選択的に選択され、変異させ又は遺伝子工学的に処理されている。V遺伝子セグメントは、サメなどの他の種にも発見されており(Kokubu et al., (1988) EMBO J., 7, 3413-3422参照)、又は、例えば免疫グロブリン軽鎖 V_L のレパートリーもしくはT細胞受容体 V_H のレパートリーになる場合、典型的な結合タンパク質の多様な V_H 様ファミリーを提供するようになる。

20

【0072】

V_H ドメインの溶解度を改善する好みしい方法は、単なる無作為ではなく合理的な手段を取り入れており、Davies and Reichmann, (1996) Protein Eng., 9(6), 531-537及びRiechmann and Muyldermans, (1999) J. Immunol. Methods, 231, 25-38に例示されている。自然選択が、親和性成熟及びVDJの再構成に続いて V_H 遺伝子の好みしい変異を取り込むことによってインビボで起こることもある。

30

【0073】

V遺伝子セグメントは、本発明に従って、核酸が発現されたとき V_H 重鎖のみ抗体を生成するために、D遺伝子セグメント、J遺伝子セグメント及び重鎖定常(エフェクター)領域(いくつかのエキソンを含んでもよいが C_H 1エキソンは除外されている)とで組換えることによってインビボで起こることもある。

【0074】

本発明のV遺伝子セグメントは、その範囲内に、本発明にしたがって、D遺伝子セグメント、J遺伝子セグメント及び重鎖定常領域(一つ以上のエキソンを含むが C_H 1エキソンは含んでいない)で組換えて、本明細書で定義する重鎖のみ抗体を生成できるホモログ、誘導体又はタンパク質フラグメントをコードする任意の遺伝子配列も含む。

40

【0075】

したがって、 V_H コーディング配列は、天然の原料由来でも、又は当業者によく知られている方法を使って合成されてもよい。

【0076】

本発明の文脈において、用語「 V_H ドメイン」は、先に定義したようにD遺伝子セグメント及びJ遺伝子セグメントで組換えられたときのV遺伝子セグメントの発現産物を意味する。好みしくは、本明細書で使用されるこの V_H ドメインは、溶解状態のままであり、

50

そして溶解度を保持するために他の要因を必要とせずに生理的溶媒中で活性である。好ましくは、可溶性 V_H ドメインの抗原への結合能は、VDJの組換え及び体細胞変異によって改善されている。ラクダ種に独特の伸長したCDR3ループの有無に対する依存性は全くない。この V_H ドメインは、モノマーとして抗原に結合でき、エフェクターの定常領域と結合すると、使用されるエフェクター分子（例えば IgG、IgA、IgMなど）の選択及び遺伝子工学的処理又は二量体化及び多量体化の別の機構によって、モノ特異性、二重特異性、多重特異性、二価又は多価の形態で產生されてもよい。可溶性の重鎖のみ抗体複合体の一部として発現されるときに、 V_L ドメインと結合する可能性は、 $C_H 1$ エキソンを除くことによって排除される（Saitia et al., (1990) Cell, 60, 781-790 参照）。 V_H ドメインを、多様なタンパク質ドメインとともに遺伝子工学的に処理して、標的治療や診断に使用する例えば毒素、酵素及び造影剤を有する融合タンパク質も產生させることもできる。

10

【0077】

本発明の文脈において、用語「D遺伝子セグメント」と「J遺伝子セグメント」には、D遺伝子セグメントとJ遺伝子セグメントの天然の配列が含まれる。好ましくは、D遺伝子セグメントとJ遺伝子セグメントは、V遺伝子セグメントの由来と同じ脊椎動物に由来する。例えば、V遺伝子セグメントがヒト由来で次いで可溶化又は遺伝子工学的に処理される場合は、D遺伝子セグメントとJ遺伝子セグメントもヒト由来である方が好ましい。あるいは、V遺伝子セグメントが例えばラクダ由来であり、D遺伝子セグメントとJ遺伝子セグメントがヒト由来でもよく、又はその逆でもよい。

20

【0078】

用語「D遺伝子セグメントとJ遺伝子セグメント」は、生成するセグメントが、本明細書に記載されているような重鎖抗体遺伝子座の保持する成分で組換えて本明細書に記載されているような重鎖のみ抗体を生成する限り、その範囲内に、その誘導体、ホモログ及びフラグメントを含む。D遺伝子セグメントとJ遺伝子セグメントは、天然の原料から誘導してもよく、又は当業者にはよく知られていて本明細書に記載されている方法を使って合成してもよい。V、D及びJの遺伝子セグメントは、組換えることができて体細胞変異をする方が好ましい。

20

【0079】

V、D及びJの遺伝子セグメントは、単一の脊椎動物種から誘導することが好ましい。これはどの脊椎動物種でもよいがヒトが好ましい。

30

【0080】

さらに、本発明の異種重鎖遺伝子座は、インビオでエフェクター機能を提供する重鎖定常領域（例えば IgG、IgM、IgA、IgE、IgD 又はそのイソタイプ）をコードする DNA の領域を含む。

【0081】

本発明は、本発明の方法で得られるか又は得ることができる抗原特異的の重鎖のみ抗体も提供する。

【0082】

<重鎖定常領域>

40

操作的に、重鎖定常領域は、天然又は B 細胞内で V 遺伝子セグメント、D 遺伝子セグメント及び J 遺伝子セグメントで組換えできる遺伝子工学的に処理された遺伝子セグメントによってコードされている。好ましくは、その重鎖定常領域は、免疫グロブリンの遺伝子座由来である。

【0083】

本発明のこの態様によって、重鎖定常領域は各々、重鎖のみ抗体を生成できるように機能性 $C_H 1$ ドメイン無しで発現される少なくとも一つの重鎖定常領域を本質的に含む。各重鎖定常領域は、 C_{1-4} 、 C_{μ} 、 C_{γ} 及び C_{α} からなる群から選択される追加の重鎖定常領域のエキソンの一つ以上を、これら追加の重鎖定常領域の遺伝子が機能性 $C_H 1$ ドメインを発現しないという条件で含んでもよい。その重鎖定常領域の遺伝子セグメ

50

ントは、必要な抗体クラスの好ましいクラス又は混合物によって選択される。任意選択的に、その異種重鎖遺伝子座は C_H と C_L を欠いている。

【 0 0 8 4 】

例えば、クラス M の Ig 分子は、マクロファージの活性化及び補体の経路で重要な役割を演じていることが分かっている。IgM は、その結合部位が近接しているため、ウイルスを含む病原体に対して高い親和力を有する。しかし、IgM は、高速免疫検定法に使用することは難しいことが知られているが、一方クラス G の Ig はこれらの検定法に容易に使用できる。このような用途に対しては、好ましい抗体のクラスとして、すなわち IgG 又は IgM を選択することが有用である。

【 0 0 8 5 】

C_H1 を欠いている異種重鎖 C_L 遺伝子座の全て又は一部を発現すると、その異種 IgG 遺伝子座中に存在する IgG1、IgG2、IgG3 及び IgG4 のイソタイプによって、いくつかの又は全ての IgG イソタイプが任意選択的に産生される。あるいは、重鎖は C_L 遺伝子を含んでもよい。生成する IgE 分子も治療に使用できる。

【 0 0 8 6 】

あるいは、抗体の選択された混合物を得ることができる。例えば、IgA と IgM は、重鎖定常領域が C_L 遺伝子と C_H 遺伝子を含むときに得ることができる。

【 0 0 8 7 】

本発明の重鎖定常領域は、特に重鎖抗体を、ヒトを治療する用途に使用したいとき、ヒトが起源である方が好ましい。重鎖抗体を、診断又は獣医学的用途に使用したい場合、重鎖定常領域は、診断又は獣医学的治療をしたい標的の生物、脊椎動物又は哺乳類由来である方が好ましい。

【 0 0 8 8 】

重鎖定常領域は、発現されたとき、機能性 C_H1 ドメインを欠いている。その C_H1 エキソン及び任意選択的に C_H と C_L の定常領域は、変異、欠失又は置換を行なってもよい。C_H1 エキソンは欠失している方が好ましい。例えば機能性 C_H1 ドメインを含む IgM が存在すると B 細胞の成熟を阻害し、B 細胞の成熟が阻害された結果として、同じ遺伝子座中に重鎖のみ IgG (C_H1 を欠いている) を産生発現することが制限される。

【 0 0 8 9 】

本明細書で定義する「重鎖定常領域エキソン」(「C_Hエキソン」)は、天然の脊椎動物であるが特に哺乳類の C_Hエキソンの配列を含む。これはクラス特異的方式で変化する。例えば、IgG と IgA は、天然に、C_H4 ドメインを欠いている。用語「C_Hエキソン」は、その C_Hエキソンが、重鎖定常領域の一成分であるとき、本明細書で定義したような機能性重鎖のみ抗体を生成できる限り、その範囲内に、その誘導体、ホモログ及びフラグメントも含む。

【 0 0 9 0 】

C_H4 又は他の機能性ドメインは、存在しているとき、細胞内の分泌プロセス、B 細胞の成熟又は生成した抗体ポリペプチドの結合活性を阻害しないならば、任意選択的に導入遺伝子中で遺伝子工学的に処理されたり又は欠失されてもよい。

【 0 0 9 1 】

< 哺乳類 >

本発明の方法に使うトランスジェニック哺乳類はヒトではない。トランスジェニック哺乳類としては、ウサギ、モルモット、ラット又はマウスなどのげっ歯類が好ましい。マウスが特に好ましい。ヤギ、ヒツジ、ネコ、イヌ又は他の動物などの代替動物も利用できる。

【 0 0 9 2 】

トランスジェニック動物は、確立された卵母細胞注射法及び確立されたときには ES 細胞技術又は ES 細胞クローニング法を利用して生成させる方が好ましい。

【 0 0 9 3 】

有利には、重鎖のみ抗体を本発明の方法によって発現させるとき、その哺乳類に内在し

10

20

30

40

50

ている免疫グロブリンの重鎖遺伝子座及び任意選択的に軽鎖遺伝子座は、欠失させるか又は抑止する。

【0094】

抗体の起源とは異なる起原の脊椎動物種に抗体を投与すると、その投与された抗体に対する免疫応答が始まることが多いので、上記のような重鎖のみ抗体を生成させるこの方法は、ヒトの治療に使う抗体を生成させるのに特に有用であろう。

【0095】

したがって、別の態様で、本発明は、本発明の異種重鎖遺伝子座を発現するトランスジェニック哺乳類を提供する。

【0096】

そのトランスジェニック哺乳類は、軽鎖を含む抗体を產生する能力を低減するように遺伝子工学的に処理されてもよい。

10

【0097】

抗体產生細胞は、本発明のトランスジェニック動物に由来してもよく、例えば、本明細書に記載したような重鎖のみ抗体を產生するためのハイブリドーマを調製するのに使用できる。加えて、又は別 の方法として、核酸配列は、本発明のトランスジェニック哺乳類から単離されてもよく、 V_H ドメイン重鎖のみ鎖抗体又はその二重特異性 / 二機能複合体を、当業者に公知の組換えDNA法を使って製造するのに使用されてもよい。

【0098】

加えて、又は別 の方法として、抗原特異的重鎖のみ抗体は、本発明のトランスジェニック動物を免疫することによって生成されてもよい。

20

【0099】

したがって、別の態様で、本発明は、本発明のトランスジェニック哺乳類を抗原で免疫することによって重鎖のみ抗体を製造する方法を提供する。

【0100】

本発明のこの態様の好ましい実施形態では、その哺乳類はマウスである。

【0101】

<重鎖のみ抗体及びそのフラグメント>

もう一つの態様で、本発明は、本発明の方法で得ることができる重鎖のみ抗体及びその機能性フラグメントと誘導体を提供する。 V_H 結合ドメインを含むフラグメントは、本発明の重鎖のみ抗体すなわち軽鎖を欠いている抗体を、酵素又は臭化シアンで開裂することによって誘導できる(Jatton et al., (1968) Biochemistry, 7, 4185 - 4195)。

30

【0102】

好ましい機能性フラグメントは、抗原特異的の重鎖のみ結合ドメイン、すなわち、単独のV、D及びJの遺伝子セグメント間の組換えと続く体細胞変異で生成する V_H 遺伝子座によって発現される V_H 結合ドメインである。本発明のこの態様によって、 V_H 遺伝子座は、例えば、上記免疫されたトランスジェニック動物の抗体產生細胞から単離したmRNAからクローン化できる。次に、クローン化された配列は、ファージ(Ward et al., (1989) Nature, 341, 544 - 546)又は類似のディスプレイライブライアリー、例えば酵母ベースの系(Boder and Witttrup, (1997) Nat. Biotechnol., 15, 553 - 7)を使って提示され、抗原特異的 V_H 結合ドメインが同定される。次に、抗原特異的重鎖結合ドメインは、大規模に量産可能な細菌、酵母又はそれに代わる発現系で、単独又は融合タンパク質として製造できる。また V_H 結合ドメインをコードする配列は、免疫されたトランスジェニックマウスから古典的な方法で誘導される、特性を決定されたハイブリドーマからクローン化することもできる。これらの配列は、異なるエフェクター機能を有する指定の抗体クラス(例えばIgE又はIgA)とその変異体を遺伝子工学的に処理することを含めて、 V_H 結合ドメインとその誘導体の製造に使用されることができる。

40

【0103】

50

したがって、本発明はまた、

(a) 目的とする抗原特異的重鎖のみ抗体（好ましくは、対象の可溶性の抗原特異的重鎖のみ抗体）を発現する細胞又は組織を単離するステップと、

(b) 前記単離した細胞又は組織から誘導したmRNAからV_H結合ドメインをコードする配列をクローニングするステップと、

(c) そのコードされたタンパク質を、ファージ又は類似のライブラリーを使ってディスプレイするステップと、

(d) 抗原特異的V_H結合ドメインを同定するステップと、

(e) そのV_H結合ドメインを、単独で又は融合タンパク質として、細菌、酵母、哺乳類又は代替の発現系で発現させるステップと

を含むV_H結合ドメインの製造方法を提供する。

10

【0104】

あるいは、V_Hドメイン含有フラグメントは、本発明の重鎖のみ抗体から、酵素による開裂法又は化学的開裂法を利用し、次いでその開裂産物からV_Hドメイン含有フラグメントを分離することによって製造できる。

【0105】

V_H結合ドメインを、特性を決定されたハイブリドーマから単離する場合は、mRNA由来のクローニングV_H結合ドメイン配列を、ファージなどのディスプレイ系を利用する追加の選択ステップに頼ることなく、発現ベクター中に直接クローニングできる。

20

【0106】

エフェクター領域を取り込んでいる、重鎖のみ抗体の產生系としては、大量飼育法に適した培養中の哺乳類の細胞（例えばCHO細胞）、植物（例えばトウモロコシ）、トランスジェニックヤギ、ウサギ、ウシ、ヒツジ、鶏及び昆虫の幼虫がある。ウイルス感染（例えば昆虫の幼虫や細胞系へのバキュロウイルスの感染）を含む他の產生系は、細胞培養法及び生殖細胞法の代わりの系である。その他の產生系も当業者にはよく知られている。重鎖のみIgA又はIgMの会合が必要な場合は、「J鎖」を共発現することが有益である。ラクダの重鎖のみ抗体又はV_H結合ドメインだけを產生させるのに適切な方法は当分野では周知である。例えば、ラクダのV_H結合ドメインは細菌系で產生されており、ラクダの重鎖のみホモ二量体はハイブリドーマ及びトランスフェクトされた哺乳類細胞で產生されている（Reichmann and Muyldermans, (1999) J. Immunol. Methods, 231, 25-38参照）。

30

【0107】

ファージディスプレイ法を使って誘導された遺伝子工学的処理ヒトV_H結合ドメインを発現させる方法も確立されている（Tanh et al., (2001) J. Biol. Chem., 276, 24774-24780及びこの文献に記載されている引用文献）。

30

【0108】

トランスジェニックハエ系由来の昆虫幼虫が、体腔液中に、哺乳類の細胞が產生する抗体と差異のない特性を有する機能性重鎖のみ抗体フラグメントを產生することが分かっている（PCT/GB2003/0003319）。本発明はまた、本発明のこの態様の方法によって得られる抗原特異的な单量体又は二量体のV_H結合ドメインを提供する。

40

【0109】

本発明はまた、異種の重鎖遺伝子座、本発明の重鎖のみ抗体をコードする単離されたポリヌクレオチド及び異種の重鎖遺伝子座もしくはそのフラグメントを含むベクターからなるポリヌクレオチド配列、又は本発明の重鎖のみ抗体をコードする単離されたポリヌクレオチドを提供する。

【0110】

本発明はまた、本発明の異種重鎖遺伝子座もしくはそのフラグメント、又は重鎖のみ抗体もしくは抗体フラグメントをコードする単離されたポリヌクレオチドで形質転換された宿主細胞を提供する。

50

【 0 1 1 1 】

第二の態様で、本発明は、エフェクター活性を提供するエフェクター部分を結合された本発明の抗原特異的 V_H 結合ドメインを含むポリペプチド複合体を提供する。このエフェクター活性は、それに加えて重鎖定常領域により提供されてもよく、分子のアミノ末端又はカルボキシ末端に配置されてもよい。これらポリペプチド複合体は、エフェクター部分の追加のターゲッティング機能すなわちエフェクター機能と組み合わせて、抗原特異的 V_H 結合ドメインが提供する生理機能を保持している。このようなポリペプチド複合体は、機能性モノマーの形態であるか、又はエフェクター部分の構造との相互作用によっては、二量体、四量体、五量体、多量体もしくは異なる V_H 結合ドメインを取り込んだ他の複合体の形態であり、その結果、多価又は多特異性を付与する。 V_H 結合ドメインは、結合分子のアミノ末端又はカルボキシ末端に存在し得る（二量体の例の図 1 参照）。

10

【 0 1 1 2 】

エフェクター部分が結合ドメインを含むとき、その結合ドメインは抗原特異的 V_H 結合ドメインとは異なる特異性を有してもよい。この配列の利点は、そのポリペプチド複合体が異なる標的と容易に架橋できることである。例えば、二重特異性ポリペプチド複合体は、細胞 - 細胞間の相互作用と細胞 - 病原体間の相互作用を高めるのに利用できる。この実施形態では、本発明のポリペプチド複合体は、例えば病原体とマクロファージなどの 2 種類の細胞型を架橋するのに利用できる（Biburger et al., (2005) J. Mol. Biol., 346, 1299 - 1311 参照）。このような二重特異性を設計する際には、 V_H 結合ドメインを使用する方が scFV 結合ドメインを使用するより好ましい。 V_H 結合ドメインは、結合親和力が高いので、このようなポリペプチド複合体中に最小のベクター構造で、scFV の四量体の親分子に比例した特異性と親和力を保持するための設計上の考慮の必要も無しに組み込むことができる。二量体又は多量体のポリペプチド複合体を考えるとき、例えば、免疫グロブリン重鎖定常領域由来の $C_H 2$ と $C_H 3$ のドメインを含む二量体化ドメインが組み入れられる（図 2 参照）。

20

【 0 1 1 3 】

用語「エフェクター部分」は、本明細書で使用する場合、細胞に対して所望の生物学的效果を仲介する任意の部分を含む。そのエフェクター部分は、好ましくは可溶性であり、そしてペプチド、ポリペプチドもしくはタンパク質でもよく、又は非ペプチド構造体でもよい。例えば、エフェクター部分は、酵素、ホルモン、サイトカイン、医薬、プロドラッグ、毒素特にタンパク質毒素、キレート化構造の放射性核種、結合ドメイン、二量体化ドメインもしくは相互作用ドメイン、造影剤、アルブミン又は阻害剤でもよい。

30

【 0 1 1 4 】

アルブミンは、抗原特異的 V_H 結合ドメインの安定性又は薬物動態学的及び / 又は薬力学的特性を増大させるためにエフェクター部分として使用できる（Sung et al., (2003) J. Interferon Cytokine Res., 23(1) : 25 - 36）。あるいは、エフェクター部分は、薬物動態学的特性を改善するため、PEGylation 又は天然にグリコシリ化された構造でもよい。

40

【 0 1 1 5 】

エフェクター部分は、抗原特異的 V_H 結合ドメインに結合されたペプチドでもよく、又は、例えばマレイミドリンカーのような化学的にリンクする構造体を使って、抗原特異的重鎖 V_H ドメインに化学的に結合されてもよい。あるいは、本発明のブリペプチド複合体は、融合タンパク質として発現されてもよい。したがって、本発明は、異種の重鎖遺伝子座からなるポリヌクレオチド配列又は本発明の重鎖のみ抗体をコードする単離されたポリヌクレオチド（そのポリヌクレオチドはさらに読み取りフレーム中にエフェクター部分をコードする 1 個以上のエキソンを含む）も含む。このエキソンは、前記ポリヌクレオチドの 5' 末端又は 3' 末端に位置していてもよい。例えば、このポリヌクレオチドは、 V_H と結合ドメイン / エフェクター部分遺伝子セグメントをこの順序で、読み取りフレーム中に含んでもよい。遺伝子融合（genetic fusion）の場合、各種ドメインの結合は、融合タンパク質のアミノ酸配列をコードする組換え DNA 構造体（同じ読み取りフ

50

レームに配置された各種ドメインがコードされている)を使って達成されてもよい。このような構造体は、診断剤及び治療剤として有用である。診断剤として、そのエフェクタードメインは、蛍光タンパク質(例えばGFP)又は酵素(例えば-l-gal)でもよい。あるいは、エフェクタードメインは、基質に対する結合性を高めるためのタグ(例えばポリヒスチジン又はビオチン)、二次抗体に結合する部位を提供する抗原、又は蛍光マーカーが結合する部位として働くロイシンジッパーもしくは類似の結合モチーフでもよい。

【0116】

<ポリペプチド複合体>

本発明者らは、抗体重鎖の少なくとも一部分を、単独で又は相補的会合ドメインを含みかつ追加のエフェクター活性を有する別のエフェクター(軽)鎖と組み合わせて含む二価又は多価のポリペプチド複合体を产生できることを明らかにした。本発明のポリペプチド複合体は、エフェクター鎖に付随する追加工エフェクター部分の機能と組み合わせた重鎖定常領域によって付与された生理学的機能を保持している(図3)。

10

【0117】

したがって、第三の態様では、ポリペプチド複合体は、一つ以上のエフェクター鎖(軽鎖)と組み合わせた重鎖を含む。本発明の第三の態様は一対の重鎖と一対のエフェクター鎖を含むポリペプチド複合体を提供し、

その一対の重鎖は互いに会合し、

一方のエフェクター鎖は一方の重鎖と会合し、他方のエフェクター鎖は他方の重鎖と会合し、

20

各重鎖は、結合ドメイン、好ましくは少なくともCH₂、CH₃及び任意選択的にCH₄の定常領域ドメインを含む二量体化ドメイン並びにエフェクター鎖の相補的会合ドメインに結合できるエフェクター部分を含み、

そのエフェクター鎖は、エフェクター部分に連結された相補的会合ドメインを含み、そして

前記会合ドメインと相補的会合ドメインは非共有相互作用によって互いに会合している。

30

【0118】

好ましくは、上記重鎖のエフェクター部分は、エフェクター鎖のエフェクター部分とは異なる。

【0119】

上記ポリペプチド複合体は、任意選択的に、CH₃ドメイン(又は存在している場合はCH₄ドメイン)のカルボキシル末端に、このドメインを会合ドメインに連結する可撓性ヒンジ様ドメインを含む。上記ポリペプチド複合体は、好ましくは、結合ドメインとCH₂ドメインの間に、天然のヒンジドメイン又は遺伝子工学的に処理された可撓性ヒンジ様ドメインを含む。ヒンジ領域の存在により、生成したポリペプチド複合体内の結合ドメインとエフェクター部分の独立した機能を高められる。

【0120】

第一ポリペプチド重鎖のエフェクター部分は、任意選択的に、第二ポリペプチド重鎖のエフェクター部分の特異性とは異なる特異性を有する。本発明によれば、ポリペプチド複合体のエフェクター部分は結合ドメインで置換されてもよい。好ましくは、その結合ドメインは(本発明の第一態様で定義されたのと同じ)VHドメイン、又は細胞受容体結合ドメインを含む。生成する四価二量体の結合タンパク質(ポリペプチド複合体)は、異なるエフェクター部分を4個まで含むことができる。好ましくは、重鎖のアミノ末端のエフェクター部分は同一であり、そしてカルボキシ末端のエフェクター部分は同一であり(但し、アミノ末端のエフェクター部分とは異なる抗原又はエピトープを認識する)、単一のホモ二量体の会合を促進する。このような分子は、適正な重鎖の機能性ドメイン(例えばIgA又はIgM)を含むことによってエフェクター機能が提供されるので、病原体を捕獲するのに有利であることが分かるであろう。

40

【0121】

50

本発明の第三の態様の代表的ポリペプチド複合体は、細胞化学的ラベリング法、ターゲッティング法、又は治療に有用である。例えば、エフェクター分子が癌細胞の表面マーカーを標的とする抗原特異的V_H結合ドメインを含みかつエフェクター部分がプロドラッグ変換酵素に対し特異的な結合ドメインを含むならば(エフェクター鎖)、その抗原特異的V_H結合ドメインは、前記標的に結合して前記エフェクター部分をその標的の直近まで運び、その結果、前記エフェクター鎖と結合して、プロドラッグ(例えばC B 1 9 5 4を有するニトロレダクターゼ)の存在下、標的に対して生物学的効果を発揮できる。免疫グロブリン重鎖エフェクター機能を二量体化ドメインとして含むことも標的細胞を除くのに有用であろう。

【0122】

10

<エフェクター鎖>

エフェクター鎖は、相補結合ドメインとエフェクター部分を含み、重鎖のエフェクター部分を通じて重鎖と結びついて、会合されたポリペプチド結合複合体を形成する。そのエフェクター鎖の相補的会合ドメインは、エフェクター部分の不可欠な成分であってもよいし、又はエフェクター部分に融合もしくは化学的に結合されたタンパク質もしくは別のリガンドでもよい。前記会合されたポリペプチド結合複合体の重鎖は、標的に結合してエフェクター(軽)鎖部分を標的の直近まで運んで標的に生物学的効果を発揮できる。

【0123】

20

<エフェクター部分>

用語「エフェクター部分」は、本明細書で使用するときは、細胞に対して望ましい生物学的効果を仲介する任意の部分を含む。そのエフェクタードメインは、細胞例えばT細胞、ペプチド、ポリペプチドもしくはタンパク質でもよく、又は非ペプチド構造体でもよい。例えば、エフェクタードメインは、酵素、医薬、プロドラッグ、毒素特にタンパク質毒素、キレート化構造体の放射性核種又は結合ドメインでもよい。相補的会合ドメインと会合しているエフェクター部分は、所望の効果によって、自然状態で、細胞の、たんぱく質の、有機又は無機の部分でよい。

【0124】

30

用語「結合ドメイン」は、本発明の上記全ての態様について本明細書で使うときは、生理的溶媒中で活性である任意のポリペプチドドメインを含む。また、このような結合ドメインは、生理的条件下、標的に結合する性能を有していなければならない。

【0125】

40

このような結合ドメインは、細胞表面に対する結合又は接着を仲介できるドメインを含む。本発明のポリペプチド複合体に使用できる適切なドメインは、哺乳類、原核生物及びウイルスの細胞接着分子、サイトカイン、成長因子、受容体のアンタゴニストもしくはアゴニスト、リガンド、細胞表面の受容体、制御因子、構造タンパク質と構造ペプチド、血清タンパク質、分泌タンパク質、細胞膜会合タンパク質、ウイルス抗原、細菌抗原、原生動物抗原、寄生虫抗原、リボタンパク質、糖タンパク質、ホルモン、神経伝達物質、凝固因子、遺伝子工学的に処理された単一鎖FvSなどである。その結合ドメインは、好ましくは脊椎動物のV_Hドメインであり、より好ましくはヒトV_Hドメインなどの哺乳類のV_Hドメインである。

【0126】

結合ドメインは、ラクダV_H(V_{HH})ドメインを含んでもよく、又は非ラクダから得たV_Hドメインを含んでもよい。その結合ドメインは、好ましくはヒトV_Hドメインである。V_H結合ドメインは、合成ファージライブライアリーから誘導されたV_Hドメインではなく、トランスジェニック動物又は(上記の)ラクダから誘導したB細胞起源ものの方が好ましい。なぜなら、トランスジェニック動物又はラクダから誘導したB細胞起源のものが、インビオで抗原の投与に応答しVDJの再構成と体細胞変異によって生成するので親和力が高いためである。

【0127】

50

エフェクター部分が結合ドメインを含むとき、その結合ドメインは重鎖の結合ドメイン

と異なっている方が好ましい。この構成の利点は、ポリペプチド複合体が、異なる標的の架橋を促進できるか又は標的細胞（例えば病原体）の異なる抗原に結合できる点である。

【0128】

第一の重鎖の結合ドメインは、第二の重鎖の結合ドメインの特異性とは異なる特異性を有してもよい。この場合、ポリペプチド複合体は少なくとも二価であるので、異なる標的を架橋することができ、かつそのエフェクタードメインはその効果を両方の抗原に対して発揮できる。多価のポリペプチド複合体は、これら四価の重鎖を、さらに、異なる一種以上の特異性及び機能を有するエフェクタードメインを含むエフェクター鎖と会合させて作製できる。また、第一の重鎖のエフェクター部分は、第二の重鎖のエフェクター部分とは異なる特異性を有してもよく、その結果各々異なる機能を保持する二つ以上のエフェクター鎖を捕獲できる。

10

【0129】

<相補的会合ドメインはエフェクター部分に結合する>

重鎖がエフェクター鎖と会合しているとき、用語「エフェクター部分」と「相補的会合ドメイン」は、本明細書で使う場合、少なくとも一つの非共有結合を、互いに形成できる部分を含む。例えば、そのエフェクター部分と相補的会合ドメインは、免疫グロブリン重鎖のC_H1ドメイン - 免疫グロブリン軽鎖の定常領域間、ロイシンジッパー間、V C A M - V L A - 4間、インテグリン - 細胞外マトリックスタンパク質間、インテグリン - C D 5 4もしくはC D 1 0 2などの細胞表面分子間、A L C A M - S R C R ドメイン間、s c F v - 抗原間又はV_H結合ドメイン - 抗原間などにみられるようなタンパク質 - タンパク質相互作用を形成できるタンパク質、ペプチドフラグメント又は共通配列でもよい。

20

【0130】

<重鎖>

重鎖の二量体化ドメインが免疫グロブリン重鎖の定常領域を含むときは、その定常領域（C_Hエキソン）は、さらなる生理的機能をポリペプチド結合複合体に付与してもよい。特に、その免疫グロブリン重鎖の定常ドメインは、その抗体定常ドメインのクラス又はサブクラスに依存して、特に補体の結合、マクロファージの活性化及びF c受容体への結合を提供してもよい。

30

【0131】

先に考察したように、発現された重鎖のクラスは、インビボでのエフェクター機能に重要な役割を持っていることはよく報告されている。樹立細胞系は有用な生物学的ターゲッティング効果を有するポリペプチド複合体を產生するかもしれないが、その重鎖定常領域は、診断上又は治療上望ましくないクラスの場合があるかもしれない、又は有効量を分泌しないこともあります。したがって、本発明のポリペプチド複合体の重鎖定常ドメインは、特異的に変えたり又は部分的にもしくは完全に削除して、免疫グロブリン重鎖の成分を導入したり、又は除いてもよい。

40

【0132】

例えば、クラスMのIg分子が、マクロファージの活性化と補体の経路で重要な役割を演じていることは知られている。その結合部位の近接近により、IgMは、ウイルスを含む病原体に対して高い親和力を有する。しかしIgMは高速免疫検定法に使用することが難しいが、その一方でクラスGのIgはこの検定法に容易に使用できることも知られている。この用途では、重鎖のクラスをμからγのドメインに切り替えることが有効であろう。

40

【0133】

重鎖のC遺伝子座を単独で発現させると、IgG1、IgG2、IgG3及びIgG4のイソタイプを含むIgGを产生し、この内いくつかは補体も活性化する。IgG抗体類は、マクロファージ及び顆粒球に結合して活性化したり、また胎盤を通過することもできる。

【0134】

各種の抗体クラスの追加の用途はすでに考察されている。

50

【0135】

本発明のポリペプチド複合体の重鎖の定常領域は、先に定義したようなヒト、ウサギ、ラット又はマウスを起源とするものでよい。なかでも、ヒトを起源とするものが好ましい。

【0136】

本発明のポリペプチド複合体は、エフェクター機能を全く提供しない二量体化ドメインを利用することによって、リガンドがその受容体に結合するのを遮断するために単独で使用することができる。多種類の受容体を、多重特異性ポリペプチド複合体で遮断できる。

【0137】

本発明の第四の態様では、エフェクター分子が、別個のエフェクター分子と会合できるように二量体化ドメインを含んでもよい。この二量体化ドメインは、 $C_H 2$ 、 $C_H 3$ 又は $C_H 4$ の抗体定常領域ドメイン及び/又はJ鎖のうち一つ以上を含んでもよい。本発明の本実施形態では、エフェクター分子の二量体又は多量体を產生するために二つ以上のエフェクター分子が会合してもよい。そのエフェクター分子は、同じでも（エフェクター分子のホモ二量体又はホモ多量体を产生できる）異なっていても（エフェクター分子のヘテロ二量体又はヘテロ多量体を产生できる）よい。好ましくは、エフェクター分子の二量体又は多量体は二価又は多価である。好ましくは、前記二つ以上のエフェクター分子の定常領域（すなわち二量体化ドメイン）は同じであるから生成物が異種になる可能性は低い。

【0138】

本発明の第四の態様によって、第一ポリペプチド重鎖と第二ポリペプチド重鎖からなる二量体を含むポリペプチド複合体であって、

各ポリペプチド重鎖が、結合ドメイン並びに任意選択的に少なくとも $C_H 2$ 、 $C_H 3$ 及び任意選択的に $C_H 4$ の抗体定常領域のドメイン及び任意選択的にエフェクター部分を含む二量体化ドメインを含み、

好ましくは第一ポリペプチド重鎖の結合ドメインは、第二ポリペプチド重鎖の結合ドメインと同じ特異性を有し、そして

これら二つのポリペプチド重鎖の定常領域（二量体化ドメイン）は同一であるポリペプチド複合体が提供される。

【0139】

好ましくは、上記第一鎖と第二鎖は同じエフェクター部分を有する。

【0140】

好ましくは、上記二量体化ドメインは、少なくとも $C_H 2$ 、 $C_H 3$ 及び任意選択的に $C_H 4$ の抗体定常領域のドメインを含む。

【0141】

また、本発明の第四態様は、複数のポリペプチド重鎖二量体及び一つのJ鎖を含むポリペプチド複合体であって、

複数のポリペプチド重鎖二量体がJ鎖によって会合され、

各ポリペプチド重鎖が、結合ドメイン並びに同一の μ 、 γ 、又は δ の $C_H 2$ 、 $C_H 3$ 及び任意選択的に $C_H 4$ のドメインを含み、そして

そのポリペプチド複合体中に、異なる特異性を有する少なくとも二つの結合ドメインが存在している

ポリペプチド複合体を提供する（図4と5参照）。

【0142】

上記本発明の第一態様で定義したように、各重鎖の定常領域は、好ましくは、重鎖のみ抗体を生成できるように機能性 $C_H 1$ ドメイン無しで発現される少なくとも一つの重鎖定常領域の遺伝子を含む。また、各重鎖定常領域は、 C_{α} 、 C_{β} 、 C_{γ} 、 C_{μ} 、 C_{δ} 及び C_{ϵ} からなる群から選択される一つ以上の追加の重鎖定常領域の遺伝子を、その追加の重鎖定常領域の遺伝子が機能性 $C_H 1$ ドメインを発現しないという条件で含んでもよい。その重鎖定常領域の遺伝子は、必要な抗体クラスの好ましいクラス又は混合物によって選択される。

10

20

30

40

50

【0143】

好ましくは、発現されるIgAとIgM中には、異なる特異性の結合ドメインが二つだけ存在している。

【0144】

一実施形態では、重鎖は各々C_H4ドメインを含み、定常ドメインはドメインであり、そしてポリペプチド複合体はJ鎖を含む。

【0145】

もう一つの実施形態では、重鎖は各々C_H4ドメインを含み、定常ドメインはμドメインであり、そして抗体はJ鎖を含む。

【0146】

<ポリペプチド複合体の会合>

本発明のポリペプチド複合体のモジュールドメインの構成は、その複合体を、多種類の可能な順列で構築することを可能にする。ポリペプチド複合体のドメインの構造及びアミノ酸の配列におけるこのような変更は、配列をコードする対応DNAの適切な領域を適切に変異させるか又は部分的に合成し及び置換することによって達成されてもよい。置換ドメイン又は付加ドメインは、互換性がある組換えDNA配列から得られてもよい。例えば、重鎖は、結合ドメインとC_H2ドメインのアミノ末端との間及びエフェクタードメインと重鎖のC末端(C_H3又はC_H4)との間の両方に、天然ヒンジ又は遺伝子工学的に処理された可撓性ポリペプチドドメインを含んでもよい。

【0147】

本発明のポリペプチド複合体の重鎖は、融合タンパク質として発現される。本発明のこの様態のポリペプチド複合体のエフェクター鎖は、融合タンパク質として発現されてもよく、又は化学的手段で会合されてもよく、又は自然状態の細胞であれば、血液もしくは組織から単離するかもしくはインビボで捕獲されてもよい(例えばアルブミン)。

【0148】

遺伝子融合の場合は、各種ドメインの連結は、融合タンパク質のアミノ酸配列をコードする組換えDNA構造体で、同じ読み取り枠内に配置されている各種ドメインをコードするDNAを使うことで達成されてもよい。

【0149】

エフェクター部分は、融合タンパク質の一部として存在しているときは、相補的会合ドメインのアミノ末端又はカルボキシ末端に位置してもよい。

【0150】

あるいはエフェクター鎖のドメインは、融合タンパク質として合成するのではなく当分野で既知の通常のペプチド化学の方法で会合させてもよい。

【0151】

結合はペプチド結合又は化学結合を介してもよい。例えば、エフェクター部分は、相補的会合ドメインにペプチド結合されてもよいし、又は例えばマレイミドのリンカーなどの化学的連結構造体を使うことによって、相補的会合ドメインに化学的に結合されてもよい。

【0152】

そのエフェクター部分は重鎖のどの位置に配置してもよい。例えば、エフェクター部分は、重鎖のC末端に、又はポリペプチド複合体の結合ドメインとC_H2ドメインもしくはヒンジドメインとの間に配置されてもよい。上記会合ドメインは、エフェクター機能及び二量体化ドメインを阻害する所以があるので、C_H2ドメインとC_H3ドメインの間には配置しない方がよい。エフェクター部分は、その独立した結合/機能を高めるために、重鎖のアミノ末端又はカルボキシ末端に、ペプチドの可撓性リンカー又はヒンジ様領域によって連結する方が好ましい。

【0153】

<ポリヌクレオチド配列、ベクター及び宿主細胞>

本発明はまた、本発明のポリペプチド複合体のいずれか一つの重鎖をコードするポリヌ

10

20

30

40

50

クレオチド配列、上記ポリヌクテオチド配列を一つ以上含むベクター及び本発明のポリペプチド複合体の重鎖をコードするベクターで形質転換された宿主細胞を提供する。そのポリヌクレオチドは、好ましくは、発現された重鎖をホモ二量体として、宿主細胞が増殖している培地中に分泌させる配列を含む。その宿主細胞は、細菌及び酵母の細胞を含む任意の起源の細胞でもよいが、脊椎動物の宿主細胞が好ましく、哺乳類の宿主細胞が一層好ましい。

【0154】

同じ宿主細胞を、異なる標的に対する特異性を有する結合ドメインを含む重鎖をコードする第二ベクターでトランスフェクトすると、二つの構造体及びホモ二量体とヘテロ二量体の混合物の会合物が共発現される。ホモ二量体は同系の抗原に対して特異性を示し、ヘテロ二量体は両方の抗原に結合する。10

【0155】

本発明はまた、本発明のポリペプチド複合体の少なくとも一つのエフェクター鎖をコードするベクターで形質転換された宿主細胞も提供する。その宿主細胞は、細菌及び酵母の細胞を含む任意の起源の細胞でよいが、脊椎動物の宿主細胞が好ましく、哺乳類の宿主細胞が一層好ましい。あるいは、エフェクター鎖は、当分野で知られている方法を使って合成されてもよい。

【0156】

本発明はまた、本発明のポリペプチド複合体の少なくとも一つの重鎖をコードするベクターで形質転換された宿主細胞を提供する。その宿主細胞は、細菌及び酵母の細胞を含む任意の起源の細胞でよいが、脊椎動物の宿主細胞が好ましく、哺乳類の宿主細胞が一層好ましい。あるいは、上記重鎖は、当分野で知られている方法を使って合成されてもよい。20

【0157】

本発明はまた、本発明のポリペプチド複合体の少なくとも一つの重鎖及び少なくとも一つのエフェクター鎖をコードするベクターで形質転換された宿主細胞も提供する。その宿主細胞は、細菌及び酵母の細胞を含む他の起源の細胞でもよいが、脊椎動物の宿主細胞が好ましく、哺乳類の宿主細胞が一層好ましい。あるいは、これらの鎖は、当分野で知られている方法を使って、独立して合成され会合されてもよい。

【0158】

さらに、本発明は、本発明の少なくとも一つの重鎖のホモ二量体もしくはヘテロ二量体のポリペプチド複合体を発現するトランスジェニック生物を提供する。そのトランスジェニック生物は、ヒトではない脊椎動物もしくは哺乳類、植物又は昆虫でもよい。30

【0159】

本発明はまた、本発明の第一態様のクラス特異的重鎖のみ抗体及びそのVHドメインを、本発明のトランスジェニック生物を抗原で免疫することによって産生する方法を提供する。

【0160】

本発明のこの態様の好ましい実施形態では、上記生物はマウスである。

【0161】

健康管理の用途で使う抗体及びポリペプチド複合体を産生するには、大量に生産する系が必要であり、その例は先に詳細に考察してある。このような系としては、大量に栽培もしくは飼育する方法に適した植物（例えばトウモロコシ）、トランスジェニックのウシ及びヒツジ、鶏及び昆虫の幼虫がある。細胞培養及び生殖細胞系列の方法に代わるものとしてウイルス感染（例えば昆虫の幼虫や細胞系へのバキュロウイルスの感染）を含む他の産生法も、当業者にはよく知られたものになるだろう。40

【0162】

これらの方法及び当分野で知られている他の適切な方法は、本発明のポリペプチド結合複合体を製造するのに使用できる。ホモ二量体及び／又はヘテロ二量体の製造はこれらの方法を使って達成できる。

【0163】

<本発明の重鎖のみ抗体及びポリペプチド複合体の使用>

本発明の重鎖のみ抗体及びポリペプチド結合複合体には、多数の用途がある。

【0164】

例えば、本発明の重鎖のみ抗体及びポリペプチド複合体には、二重特異性及び多重特異性のポリペプチド複合体が含まれる。これらの複合体は、例えば、感染症の治療と予防に使う治療剤として特に有利である。

【0165】

本発明の重鎖のみ抗体及びポリペプチド結合複合体は、細胞化学的ラベリング法、ターゲッティング法、治療及び診断を実施するのに有用である。

【0166】

モノ抗体療法では、例えば、単一の結合部位の欠失をもたらす突然変異のために病原体の免疫回避が起こり、抗体の治療効果が消失するであろう。同じ病原体の異なる抗原を認識するヘテロ二量体のポリペプチド複合体を產生すればこの問題を克服できる。本発明のポリペプチド複合体中の異なる特異性を有する少なくとも二つの結合ドメインを、細胞-細胞の相互作用及び細胞/病原体の相互作用の両方を高めるために使用することもできる。

【0167】

本実施形態では、本発明のポリペプチド複合体は、例えば、病原体とマクロファージ又は腫瘍細胞とT細胞などの二つの細胞型の間をポリペプチド複合体で架橋するのに使用できる。あるいは、そのポリペプチド複合体は、重鎖定常領域だけで提供されているエフェクター機能によって、同じ病原体の二つ以上のエピトープを認識してもよい。

【0168】

あるいは、二重特異性ポリペプチド結合複合体はインビボで標的的細胞又は組織に対して使用されてもよく、次いで循環しているエフェクター分子又は造影剤を捕獲できる。例えば、二重特異性腫瘍ターゲッティング剤はプロドラッグ変換複合体を捕獲し次いでプロドラッグを反応剤に部分的に変換するために使用され得る。また、エフェクター剤と組み合わせた二重特異性結合複合体と多重特異性結合複合体は、結合ドメインを選択することによって一種以上の病原体に結合し、破壊するために使用されてもよい。あるいは、同じ病原体の異なる抗原を認識する二種以上の結合ドメインの存在は臨床面で有利であり、病原体内の突然変異が原因の病原体の免疫回避や医薬の余剰が起こる可能性を低める。

【0169】

本発明は、本発明の第一態様の重鎖のみ抗体又はそのフラグメント、本発明の第二態様のポリペプチド鎖とポリペプチド複合体、及び本発明の第三態様のエフェクター鎖とポリペプチド複合体を提供する。これらは全て、ヒトの医薬の用途に適しているので、本発明は、本発明の重鎖のみ抗体、ポリペプチド鎖、エフェクター鎖又はポリペプチド複合体を含む医薬組成物を提供する。本発明はまた、疾患の予防及び/又は治療に使う医薬を調製する際の、本発明の重鎖のみ抗体、ポリペプチド鎖、エフェクター鎖又はポリペプチド複合体の使用も提供する。重鎖とエフェクター鎖は、前記医薬の投与方法と作用によって、ともに又は別個に配合されてもよい。

【0170】

本発明の医薬組成物と医薬は、一般に、患者に投与する前に配合され得る。

【0171】

例えば、重鎖のみ抗体又はポリペプチド複合体は、特に凍結乾燥しなければならないとき、安定剤と混合してもよい。糖類（例えば、マンニトール、スクロース又はトレハロース）を添加すると、一般に、凍結乾燥中、安定性を付与し、好ましい安定剤はマンニトールである。ヒト血清アルブミン（好ましくは組換え体）も安定剤として添加できる。糖類の混合物、例えばスクロースとマンニトール、トレハロースとマンニトールなども使用できる。

【0172】

本発明の組成物には緩衝剤を添加してもよく、緩衝剤としては、例えば、トリス緩衝剤

10

20

30

40

50

、ヒスチジン緩衝剤、グリシン緩衝剤又は好ましくはリン酸緩衝剤（例えば、リン酸二水素ナトリウムとリン酸水素二ナトリウムを含有する）がある。緩衝剤は、pHが7.2から7.8の間、特に約7.5になる量で添加することが好ましい。

【0173】

凍結乾燥した後、再構成するために注射用滅菌水が使用されてもよい。凍結乾燥された固形物を、ヒト血清アルブミン（好ましくは組換え体）を含む水性組成物で再構成することもできる。

【0174】

一般に、重鎖のみ抗体とポリペプチド複合体は、精製された形態で薬理学的に適正な担体とともに利用され得る。

10

【0175】

したがって、本発明は、本発明の医薬組成物を患者に投与することからなる患者の治療方法を提供する。患者は好ましくはヒトであり、小児（例えば幼児又は乳児）、10歳台のヒト又は成人でもよいが一般に成人であろう。

【0176】

本発明はまた、医薬として使用する本発明の重鎖のみ抗体、ポリペプチド鎖、エフェクター鎖又はポリペプチド複合体を提供する。

20

【0177】

本発明はまた、患者を治療するのに使う医薬を製造する際の本発明の重鎖のみ抗体、ポリペプチド鎖、エフェクター鎖又はポリペプチド複合体の使用も提供する。

20

【0178】

これらの使用、方法及び医薬は、好ましくは以下の疾患及び障害を治療するのに利用され、その疾患及び障害は、創傷の治癒；新生物、黒色腫、肺、結腸直腸、骨肉腫、直腸、卵巣、肉腫、頸管、食道、乳房、脾臓、膀胱、頭部と頸部などの充実性腫瘍を含む細胞増殖傷害；白血病、非ホジキンリンパ腫、白血球減少症、血小板減少症、血管新生障害、力ポジ肉腫などの骨髄増殖性障害；アレルギー、炎症性腸疾患、関節炎、乾癬と気道炎症、喘息、免疫障害及び臓器移植拒絶を含む自己免疫／炎症障害；高血圧、水腫、狭心症、アテローム性じゅく状硬化症、血栓症、敗血症、ショック、再灌流障害及び虚血を含む心血管と脈管の障害；中枢神経系疾患、アルツハイマー病、脳損傷、筋萎縮性側索硬化症及び疼痛を含む神経障害；発達障害；糖尿病、骨粗鬆症と肥満症、AIDS及び腎臓病を含む代謝異常；ウイルス感染症、細菌感染症、真菌感染症及び寄生虫感染症を含む感染症；胎盤に関連する病的状態；並びに免疫療法を利用する他の病的状態である。

30

【0179】

さらなる態様では、本発明は、本発明の重鎖のみ抗体又はポリペプチド結合複合体の診断剤、予後治療剤又は治療用造影剤としての使用方法を提供する。さらに、本発明は、本発明の重鎖のホモもしくはヘテロの二量体だけ又はこれを本発明の一つ以上のエフェクター（軽）鎖と組み合わせた治療用造影剤、細胞化学の試薬又は診断剤としての使用方法を提供する。

30

【0180】

本発明は、本明細書に記載されている重鎖のみ抗体又はそのフラグメントの細胞内結合試薬又は抗体酵素としての使用方法を提供する。好ましい重鎖のみ抗体のフラグメントは、可溶性の抗原特異的VH結合ドメインである。

40

【0181】

本発明はまた、本発明の抗原特異的単鎖抗体又はVH結合ドメインの酵素阻害剤又は受容体封鎖剤としての使用方法を提供する。好ましい重鎖のみ抗体のフラグメントは、可溶性の抗原特異的VH結合ドメインである。

【0182】

本発明はまた、エフェクター分子に融合させたVHドメインの治療剤、造影剤、診断剤、アブザイム又は試薬としての使用方法を提供する。

50

【0183】

<一般技術>

本明細書で使用されている技術用語と科学用語は、特に定義しない限り、当業者（例えば細胞培養、分子遺伝学、核酸化学、ハイブリッド形成技術及び生化学の当業者）が共通して理解しているのと同じ意味を持っている。分子、遺伝子及び生化学の方法（一般に、Sambrook et al., Molecular Cloning: A Laboratory Manual, 2nd Ed. (1989) Cold Spring Harbor Laboratory Press, Cold Spring Harbor N.Y. 及びAusubel et al., Short Protocols in Molecular Biology (1999) 4th Ed., John Wiley & Sons, Inc. 参照）並びに化学的方法の標準方法が使用される。さらに、標準の免疫学的方法として、Harlow & Lane, A Laboratory Manual Cold Spring Harbor N.Y. がある。

10

【0184】

本発明の二価及び多価のポリペプチド複合体、單一重鎖抗体及びそのフラグメントの製造のために、任意の適切な組換えDNA技術が使用されてもよい。ポリペプチド複合体又は抗体の鎖各々をコードするDNA配列を含むプラスミドなどの典型的な発現ベクターが構築される。免疫グロブリンを酵素で及び化学的に細分して生成したフラグメントを分離する確立された適切な任意の方法が使用されてもよい。

【0185】

本発明はまた、トランスジェニックマウス内で重鎖のみ抗体を発現する構造体を含み、本発明のポリペプチド複合体を構築し発現するベクターを提供する。

20

【0186】

ポリペプチド鎖以外の鎖をコードするDNA配列を含有する単一ベクターが構築されてもよいことは高く評価されるであろう。例えば、二つの異なる重鎖をコードするDNA配列は、同じプラスミドの異なる位置に挿入されてもよい。

【0187】

あるいは、各ポリペプチド鎖をコードするDNA配列を、個々に一プラスミドに挿入して、各々特定のポリペプチド鎖をコードする多数の構築されたプラスミドを製造してもよい。配列を挿入するプラスミドは互換性のある方が好ましい。

30

【0188】

続いて、各プラスミドは、各宿主細胞がポリペプチド複合体中の各ポリペプチド鎖をコードするDNA配列を含有するように、宿主細胞を形質転換するのに使用される。

【0189】

細菌系内でクローン化するのに適切な発現ベクターとしては、Col E1、pCR1、pBR322、pACYC184及びRP4などのプラスミド、ファージDNA、又はこれらのいずれかの誘導体が使用されてもよい。

【0190】

酵母系内にクローン化するのに使用する適切な発現ベクターとしては、2 micronプラスミドの複製起点に基づいたプラスミドが挙げられる。

40

【0191】

適正な哺乳類の遺伝子のプロモーター配列を含有する任意のプラスミドは、哺乳類系でのクローン化に使用されてもよい。昆虫又はバキュロウイルスのプロモーター配列は、昆虫細胞の遺伝子を発現させるのに使用されてもよい。このようなベクターとしては、例えばpBR322、ウシ乳頭腫ウイルス、レトロウイルス類、DNAウイルス類及びワクシニアウイルス類由来のプラスミドがある。

【0192】

ポリペプチド複合体又は抗体を発現のために使用されてもよい適切な宿主細胞としては、細菌、酵母及び真核細胞例えば昆虫もしくは哺乳類の細胞系、トランスジェニック植物、昆虫、哺乳類及び他の無脊椎動物もしくは脊椎動物の発現系が挙げられる。

【0193】

50

<本発明のポリペプチド複合体及び単一重鎖抗体>

用語：本発明の「ポリペプチド複合体」、「单一重鎖抗体」及び「異種重鎖遺伝子座」は、例えば、類縁の細胞ホモログ、他の種由来のホモログ及びその変異体もしくは誘導体などの任意の供給源から得られる同族のポリペプチド及び核酸配列を含むことは当然明らかであろう。

【0194】

したがって、本発明は、本明細書に記載されている上記ポリペプチド複合体と抗体の変異体、ホモログ又は誘導体を含む。

【0195】

本発明の文脈では、同族配列は、少なくとも30個、好ましくは50、70、90又は100個のアミノ酸を超えるアミノ酸レベルで、少なくとも80、85、90、95、96、97、98、99、99.5、99.6、99.7、99.8、99.9%相同で好ましくは少なくとも98又は99%相同であるアミノ酸配列を含むと考えられる。相同性は類似性（すなわち類似の化学特性／機能を有するアミノ酸残基）によって検討することもできるが、本発明の文脈では、相同性は配列の同一性で表現する方が好ましい。

【0196】

本発明には、本発明のポリペプチド複合体と抗体を製造するのに使う構築された発現ベクター及び形質転換された宿主細胞も含まれる。

【0197】

個々の鎖は、同じ宿主細胞内で発現された後、活性型の完全なポリペプチド複合体又は重鎖のみ抗体を提供するために回収されてもよい。本発明の好ましい形態では、個々の重鎖は、宿主細胞によって処理されて、その細胞から有利に分泌される完全なポリペプチド複合体又は抗体を形成すると考えられる。好ましくは、エフェクター鎖は、宿主細胞又は合成手段によって別個に產生される。

【0198】

組換え抗体のポリペプチド複合体の調製法は、上記参照文献及び例えばEP-A-0623 679；EP-A-0 368 684及びEP-A-0 436 597にも記載されている。

【0199】

<トランスジェニック生物の免疫>

さらなる態様で、本発明は、抗原を、本発明のトランスジェニック生物に投与することを含む本発明の抗体の製造方法を提供する。

【0200】

本発明のトランスジェニック生物から產生される抗体及びポリペプチド複合体としては、ポリクローナル抗体、モノクローナル抗体及びそのフラグメントが挙げられる。ポリクローナル抗体が必要なときは、トランスジェニック動物（例えばマウス、ウサギ、ヤギ、ウマなど）を、抗原で免疫し、免疫された動物から血清を集めて、公知の方法で処理されてもよい。ポリクローナル抗体を含有する血清が、他の抗原に対する抗体を含有するとき、対象のポリクローナル抗体は、当業者にはよく知られている免疫親和性クロマトグラフィー及びこれに類似の方法で精製できる。また、ポリクローナル抗血清を產生させ処理する技術も、当分野で知られている。

【0201】

<本発明のポリペプチド結合複合体及び抗体の使用方法>

本発明のポリペプチド複合体及び抗体とそのフラグメントは、インビボでの治療と予防の用途、インビトロとインビボで診断する際の用途、インビトロでの検定と試薬の用途などに利用されてもよい。

【0202】

本発明のポリペプチド複合体と抗体を治療と予防に用いる方法には、それらを、ヒトなどの受容哺乳類に投与するステップが含まれる。

【0203】

10

20

30

30

40

50

実質的に純粋なポリペプチド複合体及び抗体のそのフラグメントを少なくとも 90 ~ 95 % の均質性で含有しているものが哺乳類に対して投与するのに好ましく、そして特に哺乳類がヒトの場合、医薬の用途には、98 ~ 99 % 以上の均質性が最も好ましい。所望どおりに部分的に又は均質に精製されたならば、本明細書に記載のポリペプチド複合体と重鎖のみ抗体は、診断又は治療（体外の場合を含む）に使うか又は当業者に知られている方法を使って検定法を開発して実施するのに使用されてもよい。

【0204】

一般に本発明のポリペプチド複合体と抗体は、精製された形態で、薬理学的に適正な担体とともに利用される。典型的には、これら担体としては、水溶液もしくはアルコール／水溶液、乳濁液もしくは懸濁液があり、これらは生理食塩水及び／又は緩衝媒体を含んでもよい。非経口用の賦形剤としては、塩化ナトリウム溶液、リングルのデキストロース、デキストロースと塩化ナトリウム及び乳酸化リングル液がある。

10

【0205】

ポリペプチド複合体を懸濁液に保持することが必要な場合、生理的に許容できる適切なアジュバントを、カルボキシメチルセルロース、ポリビニルピロリドン、ゼラチン及びアルギネートなどの増粘剤から選択してもよい。

【0206】

静脈内用賦形剤としては、流体と栄養素の補充剤及び電解質の補充剤、例えばリングルのデキストロースに基づいたものが挙げられる。また、保存剤などの添加剤、例えば抗菌薬、抗酸化剤、キレート化剤及び不活性ガスが存在していてもよい（Mack (1982) Remington's Pharmaceutical Sciences, 16th Edition）。

20

【0207】

本発明のポリペプチド複合体及び抗体とそのフラグメントは、別個に投与される組成物として又は他の試薬とともに使用できる。これらは、各種の免疫治療用薬剤、例えばシクロスボリン、メトレキサート、アドレアマイシン、シスプラチナム又はイムノトキシンを含んでもよい。あるいは、本発明のポリペプチド複合体は、酵素とともに使用して、プロドラッグをその活性部位で変換できる。

【0208】

医薬組成物は、本発明の選択された抗体とともに又は本発明の選択された抗体の組合せとともに、各種の細胞傷害性又は他の試薬の「カクテル」を含んでもよい。

30

【0209】

本発明の医薬組成物の投与経路は、当業者に公知のどの経路でもよい。特に制限を含まない免疫療法を含む治療法の場合、本発明のポリペプチド複合体又は抗体は、どの患者にも標準の方法で投与できる。その投与は、非経口、静脈内、筋肉内、腹腔内、経皮、経肺又はカテーテルを使って適切に行う直接注入を含む任意の適切な様式によって行なわれる。投与量と投与の頻度は、臨床医が考慮する患者の年齢、性別及び症状、他の医薬の同時投与、計器の示度などの他のパラメータに依存するであろう。

【0210】

本発明のポリペプチド複合体と抗体は、凍結乾燥して貯蔵し、使用する前に適切な担体で再構成することができる。既知の凍結乾燥法と再構成法を利用できる。凍結乾燥と再構成は、機能活性損失を起こし得るので、補償するため使用レベルを上方に調節しなければならないことがあるかもしれないことは当業者には当然明らかである。

40

【0211】

さらに本発明のポリペプチド複合体と抗体は、診断のために使用できる。例えば、本明細書に記載の抗体は、疾患状態中に特異的に発現されるか又はそのレベルが所与の疾患状態中に変化する抗原に対して生成又は発生されてもよい。

【0212】

診断又は追跡などの特定の目的のためには、ラベルを付加してもよい。適正なラベルとしては、限定されないが、放射能ラベル、NMRスピンラベル及び蛍光ラベルのいずれか

50

がある。これらのラベルを検出する手段は、当業者にはよく知られている。

【0213】

本発明のポリペプチド複合体と抗体又はそのカクテルを含有する組成物は予防及び/又は治療のために投与できる。

【0214】

本発明のポリペプチド複合体又は抗体を一種以上含有する組成物は、予防と治療の段階で、哺乳類中の選択された標的細胞集団を変質させ、不活性化し、殺し又は除去することを促進するのに利用されてもよい。さらに、本明細書に記載されているポリペプチド複合体と抗体の選択されたレパートリーは、細胞の異種コレクション由来の標的細胞集団を殺し、減少させ又は有效地に除去するために、体外又はインビトロで選択して使用されてもよい。

10

【実施例1】

【0215】

予備実験で、二つのラマV_Hエキソンが、ヒト重鎖の多様性(diversity)(D)セグメントと連結(joining)(J)セグメントに連結され、さらにC_μ、C₂、C₃ヒト定常領域遺伝子とヒト重鎖免疫グロブリン3'LCRがそれに続く重鎖遺伝子座を発現するトランスジェニックマウスを準備した。前記ヒトのC₂とC₃の遺伝子は、G Aのスプライス変異を含有していた。Frт部位が存在していると、F1pにより仲介される組換えによって、多コピー導入遺伝子アレイから單一コピートランスジェニックマウスを生成することができる。しかし、G Aスプライス変異を有するトランスジェニック遺伝子座由来の配列は、異所スプライシングであるが不完全なCH1の除去を示した(図9)。

20

【0216】

<構造体>

この問題を克服するため、標準の方法を使って、ゲノムコスミドライブライアリーベルVH遺伝子を含有するクローニングについてスクリーニングした。一つ(又は二つ以上)の異なる生殖細胞系VHを、その配列に基づいて無作為に選んだ(ヒトVHの場合は五つの属クラス)。親水性アミノ酸のコドンを、IMGTナンバリング法(Lefranc et al.(1999)によって、42、49、50及び52の位置に導入した。これらのVH遺伝子は、カスタムメイドのリンクアーチを使う直接クローニング法又は相同意組換え法などの標準法によってBACベクター中に組み入れられた。

30

【0217】

二つのクローニングすなわち、ヒト重鎖のDとJのセグメント、C_μ(IgM)及びC(IgD)を含有するクローニング1065N8並びにC₃(IgG3)遺伝子を含有するクローニング1115N15を、ヒトゲノムPacライブライアリーリソース(RPCI-11(BACPAC Resource Center, USA))から選択した。異なるヒトゲノムライブライアリーリンサイトGenomics, CA, USA)由来のBac clone 11771を、C₂(IgG2)遺伝子及び免疫グロブリン重鎖LCRの原料として使用した(Millis et al.(1997)J. Exp. Med., 15; 186(6):845-58)。

40

【0218】

標準法を使って、C₃とC₂の遺伝子を、別個に、pFastBacベクター(Invitrogen)中にサブクローニングした。同様に、残りの任意のIg定常領域をこれらのBACからクローニングできる(IgA、IgE)。CH1エキソンの完全な欠失は、各定常領域のCH1エキソンの隣に位置する配列を使って、相同意組換え法(Imam et al., (2001))によって達成した。Frт部位を、C_μスイッチ領域の前に任意選択的に導入し、標準的な手段で(例えばrosa-f1pマウスと交配することにより)インビトロにてf1pリコンビナーゼで処理することによって、多コピー遺伝子座から單一コピー遺伝子座を生成させることができた(図10)。

【0219】

50

別個の V H 遺伝子、 D と J のセグメント及び C と L C R のエキソンを、通常の制限消化-連結法又は相同組換え法（又は両方を混合した方法）又は任意の他のクローン化法によって、一つの B A C 中にクローン化した。次いでさらに別の構造体を作製することができた。

【 0 2 2 0 】

< I g M のみ遺伝子座 >

I g M 構造体を得るため（図 1 1）、ヒトの D と J の重鎖セグメント及び C μ が続く一つ以上の V H 遺伝子（好ましくは、可溶性を提供するため遺伝子工学的に処理されたヒト V H 遺伝子又はラクダ V H H 遺伝子）を B A C 中にクローン化した（本方法について上記を参照のこと）。この場合、C μ 領域だけが、最終の B A C 中にクローン化された。10

【 0 2 2 1 】

< I g M プラス I g G 遺伝子座（ C は任意選択的） >

I g M プラス I g G 構造体を得るため（図 1 2）、ヒトの D と J の重鎖セグメント、C μ （ C H 1 エキソンは含有しないが C H 4 エキソンは含有する）、（任意選択的な C ）及び修飾されたヒト C 2 と C 3 遺伝子と 3' L C R が続く一つ以上の V H 遺伝子（好ましくは、可溶性を提供するため遺伝子工学的に処理されたヒト V H セグメント又はラクダ V H H 遺伝子）を B A C 中にクローン化した。I g G のみ遺伝子座を生成させるために、1 o x P 部位を、標準クローン化ステップ（上記）によって導入し次いでその B A C を 2 9 4 C r e 大腸菌株中で成長させ（ B u s c h o l z e t a l . ）、次いで c r e により仲介される組換え法によって I g G のみ遺伝子座を產生する細菌を得た。さらなる構築の詳細については先の説明を参照のこと。20

【 0 2 2 2 】

< I g M プラス I g G 遺伝子座（ C は任意選択的） >

I g M プラス I g G 構造体を得るため（図 1 3）、ヒトの D と J の重鎖セグメント、C μ （ C H 1 と C H 4 を含有する）、（任意選択的な C ）及び修飾されたヒト C 2 と C 3 遺伝子と 3' L C R が続く一つ以上の V H 遺伝子（好ましくは、可溶性を提供するため遺伝子工学的に処理されたヒト V H 遺伝子又はラクダ V H H 遺伝子）を B A C 中にクローン化した。I g G のみ遺伝子座を生成させるために、1 o x P 部位を、標準クローン化ステップ（上記）によって導入し次いでその B A C を 2 9 4 C r e 大腸菌株中で成長させ（ B u s c h o l z e t a l . ）、次いで c r e により仲介される組換え法によって I g G のみ遺伝子座を產生する細菌を得た。30

【 0 2 2 3 】

< トランスジェニックマウス、飼育とゲノタイピング >

受精卵に対する標準マイクロインジェクション法又は胚幹細胞トランスフェクション法によって、前記最終 B A C を、トランスジェニックマウスに導入した。

【 0 2 2 4 】

5' 末端と 3' 末端の遺伝子座プローブを使って末端 t a i l D N A をサザンプロット分析することによって（ S o u t h e r n 1 9 7 5 ）、トランスジェニック遺伝子座を、完全性とコピー数についてチェックした。初代マウス（ f o u n d e r ）は、 μ M T - / - バックグランドの系統中で繁殖させた。その遺伝子座の異なる領域各々についてプライマーを使って標準 P C R 分析することによって、ゲノタイピングを実施した。C 2 と C 3 の両方から全 C H 1 エキソンを除かれたトランスジェニックマウス（ H L L ラインを有するもの及び C μ と C の遺伝子を有しないもの）の B M c D N A 由来の R T - P C R 産物の配列を分析したところ、そのトランスジェニック遺伝子座は、 V D J を組換えることができるのみならず、その I g G の転写産物が、ラマやラクダの H C A b に見られる転写産物に似ていることを示した。40

【 0 2 2 5 】

< 免疫組織化学 >

脾臓を O C T 化合物中に包埋した。クライオスタッフによる 5 μ m の凍結切片をアセトン中で固定し、すでに述べられているようにして（ L e e n e n e t a l . 1 9 9 8 50

) 単一又は二重の標識を行った。モノクローナル抗体抗B220/R A 3 - 6 B 2、モノクローナル抗体抗C D 1 1 c / N 4 1 8 (Steinman et al. 1997)にはハイブリドーマ培養上澄み液が用いられた。ペルオキシダーゼを連結したヤギ抗ヒトIgG及びヤギ抗ヒトIgMをSigmaから入手した。第二ステップの試薬は、ペルオキシダーゼの標識をつけた、ヤギ抗ラットIg(DAKO, Glostrup, Denmark)もしくはヤギ抗ハムスターIg(Jackson ImmunoResearch Laboratories, West Grove, AL, USA)及びヤギ抗ラットIgアルカリホスファターゼ(Southern Biotechnology, Birmingham, AL, USA)であった。

【0226】

10

図15は、 μ MT^{-/-}バックグランド中の μ MT^{-/-}、WTとHLL及びHLL-MDのトランスジェニックマウス由来の脾臓の5 μ m凍結切片を免疫組織化学分析した結果を示す。切片を、B細胞は抗B220(ブルー)で染色し、そして樹枝状細胞は抗C D 1 1 c / N 4 1 8(褐色)で染色した。矢印はB細胞の小クラスターの位置を示す。

【0227】

< フローサイトメトリー分析 >

単一細胞の懸濁液を、(Sliedker et al. 1993)、PBS中のリンパ系器官から調製した。約 1×10^6 個の細胞を抗体とともに、96ウェルプレート中のPBS/0.5%ウシ血清アルブミン(BSA)内で4にて30分間インキュベートした。細胞をPBS/0.5%BSA中で2回洗浄した。各試料について、FACScan analyzer(Becton Dickinson, Sunnyvale, CA)を使って、 3×10^4 個の細胞を計測した。FACSのデータは、CellQuest version 1.0 computer softwareを使って分析した。四色分析を、Becton Dickinson FACS Caliburで実施した。以下のmAb: FITC複合抗B220-R A 3 - 6 B 2及びPE複合抗C D 1 9をBD Pharmingen(San Diego, CA)から入手した。抗C D 1 9及び抗B220で染色した脾臓細胞のFACSスキャンデータを図15の下部のパネルに示した。

20

【0228】

図15の左側に、HLL系-F1p e Rトランスジェニック系を交配することによるインビボF1p組換えを提示しており、これは組換え体の脾臓細胞に関するFACSスキャンデータを支持し、直接生成した元のHLL-MD系に見られるようなB細胞のレスキュー(rescue)を示している。右側には、Cag-Creトランスジェニック系の飼育することによるインビボCre組換えと單一コピーの組換え体の脾臓細胞に関するFACSデータを示してある。

30

【0229】

< 免疫付与とハイブリドーマの產生(図14) >

二つのラマVHHドメイン、ヒトのDとJの領域及びIgG2とIgG3の定常領域(CH1ドメインは含まない)からなる重鎖のみ抗体の遺伝子座を含有するトランスジェニックマウスを作製した。

40

【0230】

8週齢のマウスを、大腸菌熱ショックタンパク質70(hsp70)で免疫した。Specolアジュバント(IDDLO, Le lysadt, NL)を含有する抗原20 μ g又は5 μ gを、それぞれ、0日目、14日目、28日目、42日目に皮下注射し50日目に腹腔内注射した。0日目、14日目及び45日目に採血した。3回ブーストを行った後、Hsp70タンパク質で免疫したHLL-MD1マウス3匹のうち1匹に低力価の抗原特異的抗体が検出された(図14)。

【0231】

標準の脾臓細胞を黒色腫細胞系と融合させて、hsp70タンパク質に対するモノクローナル抗体をモノクローナルハイブリドーマ細胞系中に生成させた。その抗HSP70 HCAbは、ヒトIgHD3-10セグメントに組換えられたD領域に最も近いラマVHH

50

セグメント(VHH 2)(acc.num.X13972)及びヒトIgHJ4-02セグメント(acc.num.X86355)からなっている。頻度は高くないが、前記VHHは、生殖細胞系の配置構成と比べて図9Aに示すアミノ酸の変化を起こす突然変異を数回行なう。RT-PCR分析の結果もそのハイブリドーマ内に生産的IgH転写体を一つだけ示したが、これは他の転写体が全く生成しないことを示唆している。HSP70 IgG2抗体は重鎖のみ二量体として分泌される(変性ゲル(二量体)及び非変性ゲル(モノマー)条件下のウエスタンプロット法、図14)。Clonal Cell TM-HY kit(StemCell Technologies, UK)を生産者の指示に従って使用し、脾臓細胞を、56日目に、Sp2-O-Ag14黒色腫細胞(R.Hapereen氏からの寄贈)と融合させた。

10

【0232】

二つのラムVHHドメイン、ヒトのDとJの領域、ヒトのIgM及びIgG2とIgG3の定常領域(全てCH1ドメインは含まない、図12)からなる重鎖のみ抗体の遺伝子座を含有するトランスジェニックマウスを、TNFで免疫してHC-IgM抗体を得た。3匹のマウスのうち1匹が、標準ELISA検定法で陽性の血清を示した。標準的な黒色腫融合によって陽性のIgMハイブリドーマを得た(図16)。非還元条件下、Sepharose 6Bでゲルfiltrationした後、カラムの各画分を還元条件下のゲルに負荷し次いで抗ヒトIgM-HRPによって検出した(図20)。非還元条件下での分画は、HC-IgMが、ヒトの対照IgMと同じ大きさ(HC-IgMには欠けている軽鎖とCH1ドメインの分子量を差し引いた後)の多量体抗体として分泌されることを示した。各カラム画分の還元条件下でのゲル分画は、図20に示す予想モノマーを示した。

20

【0233】

<血清Ig ELISA>

15~25週齢のマウスから血液を、EDTAをコートしたチューブに集めて、室温(RT)で15分間遠心し、次いでその上澄み液をPBSで1:5の比率で希釈した。96ウェルプレートを、5mg/ml濃度のヤギ抗ヒトIgG(YES Biotechnologoy)又はヤギ抗ヒトIgM(Sigma)で2時間コートし、PBSで洗浄し、ブロッキング溶液(1.5%BSA/1.5%粉乳/0.1%Tween 20/PBS)でRTにて1時間ブロックし、次にPBSで3回洗浄した。血清試料と標準液(ヒトIgG2又はヒトIgM(Sigma, Zwijndrecht, NL))の希釈シリーズを負荷して2~4時間インキュベートし次いでプレートをPBSで6回洗浄した後、第二抗体(HRPに連結したヤギ抗ヒトIgG又はヤギ抗ヒトIgMを1:2000の比率で希釈したもの(Sigma, Zwijndrecht, NL))を添加した。希釈は全てブロッキング溶液で実施した。RTで1~2時間インキュベートしてPBSで洗浄した後、POD基質(Rochelle)を添加した。

30

【0234】

IgG2ファージライブラリーから抗原特異的可溶性sdAbを検出するELISA試験の結果を図16に示す。可溶性sdAbを、抗原をコートしたプレートに対する第一抗体として使い続いてマウス抗myc抗体及びHRP複合ヤギ抗マウス抗体を使った。PODを基質として使った。下部のパネルは、制限酵素Hinf Iによるクローニングのフィンガープリンティングを示し、これはB. Pertussisに対するsdAbをコードする5個の異なるインサートを示している。

40

【0235】

<抗体ライブラリーの構築とスクリーニング>

Ultraspacer RNA isolation system(Biotex Laboratories, Houston, Texas, USA)を使って、DKTPで免疫した單一コピーIgGのみマウスの脾臓から全RNAを単離した(図12 cre処理をした後)。oligo dTを使ってcDNAを作製した。vh1 back Sf IIプライマー(Dekker et al 2003)をhIgG2hingrevプライマー(5'-AATCTGGGCAGCGGCCGCTCGACACAACTT

50

T G C G C T C - 3')と組み合わせた特異的プライマーを使用して P C R によって、V H H の D J フラグメントをコードする D N A フラグメントを増幅した。その増幅された V H H の D J フラグメント(約 400 bp)を、S f i I / N o t I で消化し、ゲルで精製し次いで S f i I / N o t I で消化したファージミドベクター p H E N - 1 中にクローン化した。

【 0 2 3 6 】

T G 1 エレクトロコンピテント細胞に形質転換して、ヒト単一ドメイン抗体を生産する抗体ライブラリーを得た。プラスティック(希釈されていないワクチンをコートしたイムノチューブ)に吸着させたワクチン抗原にパニングを行なって、2ラウンドの選択を実施した。制限分析と配列決定は標準の方法でおこなった。

10

【 0 2 3 7 】

<重鎖のみ遺伝子座の R T - P C R >

H L L - M D 遺伝子座が、多様な抗体レパートリーを產生する際に正常な遺伝子座として機能するかどうかを、パイエル板由来の c D N A に対して I g G 2 と I g G 3 の特異的プライマーを使って得た R T - P C R 産物の配列を決定することによって試験した。図 17 は、免疫されていないマウス(左パネル)と免疫されたマウス(右パネル)由来のクローンの体細胞変異のいくつかの例を示す。これらのマウスは、I g G のみ遺伝子座、大腸菌 h s p 7 0 、百日咳菌溶解物、破傷風トキソイドで免疫されたものであった。二重下線の部分は E R K C C V で始まる I g G 2 ヒンジ領域である。

20

【 0 2 3 8 】

パイエル板の R T - P C R による分析は、両 V H を使うことを示したが、配列を決定された全ての抗体は、V H 2 を再構成していた。レパートリーの多様性の起源は、D と J のセグメントの選択及び V - D と D - J の結合部によって形成された C D R 3 領域である。ヒト J セグメントを使うことは、ヒトの再構成に見られるのと類似しており、J H 4 と J H 6 のセグメントが最も頻繁に使用される。

【 0 2 3 9 】

この分析は、多様な抗体のレパートリーに寄与するために、両 V H 、異なるヒト D セグメント及び全てのヒト J セグメントを使われることを示した。再構成された各遺伝子を、その生殖細胞系のカウンターパートすなわちトランスジェニック構造体中の元の V H と比較することによって、I g G 3 をスイッチされた B 細胞が存在し、体細胞の変異が起こっていることも分かった(図 17 参照)。したがって、ヒト重鎖のみ I g G 抗原受容体は、B 細胞成熟に必要な信号を提供できる。

30

【 0 2 4 0 】

<免疫染色>

図 18 は、A 5 抗体(D e k k e r et al . 2 0 0 3)を含有する応答プラスミドで追加的にトランスフェクトされた T e t - o n 細胞系の一つを免疫染色した結果を示す。上のパネルは、ドキシサイクリンによって細胞質中に誘発され產生した A 5 抗体(赤色)及び D A P I による細胞核の染色(青色)を示す。下のパネルは、核の中に r t T A を発現する細胞が、誘発(上のパネル)によって A 5 を產生する細胞であることを示す。下記配列を有する r t T A に対するヒト H C A b のうちの一種で染色を実施した(緑色)。F I T C 複合ヤギ抗ヒト I g G を第二ステップとして使用した。 D e k k e r et al . 2 0 0 3 にすでに記載されているようにして、A 5 を検出した。r T T A 抗体は下記配列を有する I g G 3 であった。

40

【化1】

241 AGACTCT

80 R L

301 CCTGTGCAGCCTCTGGAAGCATCTTCAGTATCAATGCCATGGGCTGGTACCGCCAGGCTC

100 S C A A S G S I F S I N A M G W Y R Q A

361 CAGGGAAAGCAGCGCGAGTTGGTCGCAGCTATTACTAGTGGTGGTAGCACAGGTATGCAG

120 P G K Q R E L V A A I T S G G S T R Y A

421 ACTCCGTGAAGGGCCGATTACCACATCTCCAGAGAACGCCAAGAACACGGTGTATCTGC

140 D S V K G R F T I S R D N A K N T V Y L

481 AAATGAACAGCCTGAAACCTGAGGACACGGCCGTCTATTACTGTTGATCTATGGTTC

160 Q M N S L K P E D T A V Y Y C L I S M V

541 GGGGAGCCCGTTTGACTACTGGGCCAGGGAACCTGGTACCGTCTCCTCAGAGCTCA

180 R G A R F D Y W G Q G T L V T V S S E L

601 AAACCCCACCTT

200 K T P L

10

20

20

30

40

50

【0241】

このIgG3のヒンジは、アミノ酸198 E L K T P Lから始まる。比較のため図17のIgG2ヒンジ領域を参照されたい。

【0242】

<ウエスタンプロット分析>

図19は、IgMプラスIgG遺伝子座(図10)を含有する異なるトランスジェニックマウス系の血清の、c re処理を行った後(すなわち、IgMが欠失しIgGのみ残留)のウエスタンプロットを示す。血清は、prot Gで精製し次いで還元条件下(図19の右のパネル)及び非還元条件下(図19の左のパネル)でゲル分画を行なった。対照は、バックグランドのKOマウス及び正常なヒトの血清の試料である。ヒト重鎖のみIgGが二量体であることを示す二つのゲルのサイズ間の差に留意されたい。

【0243】

図19に示した信号は、標準の方法によって抗ヒトIgG抗体で検出した。

【0244】

IgMプラスIgG遺伝子座マウスによって產生されるヒトIgMのサイズ分画

IgMプラスIgGマウス(図13)由来の血清を、対照のヒト血清の試料と混合した後、非還元条件下でゲル濾過することによって分画した。結果を図20に示す。カラムの複合体の分子量は、各レーンについて(各画分を示す)左から右に進むにつれて減少する。これら画分(各レーン)を、還元条件下にてゲル電気泳動法で分析した。

【0245】

ヒトTNFで免疫された、IgMプラスIgG(図13)遺伝子座を含有するマウスから作製した多数のハイブリドーマのELISA分析を実施した。結果を図21に示す。図21の上部2列は抗ヒトIgGを分析した結果であり、次の2列は抗ヒトIgMを分析した結果である。血清試料(二つの矢印)は、このマウスがIgG抗TNF抗体とIgM抗TNF抗体の両者を产生したことを示している。単一矢印は、陽性IgMハイブリ

ドーマを示す。それらのウェルは、市販のヒトTNFでコートした。処理は全て標準法で行なった。

【実施例2】

【0246】

二重特異性二価抗体を、二つの重鎖のみモノ特異性抗体を結合させることによって生成させた。その第一抗体は、第一特異性とエフェクター機能（可変領域と定常領域それぞれの）をもたらす骨格を形成する。この第一抗体は、第二特異性を有する第二抗体と、新たに設計されたヒンジによって結合させる。このヒンジは、既存のIgG2のヒンジの配列と類似しているが、システインをプロリンで置換することによって変化させて、抗体二量体のシステインの架橋を防止し、かつプロリンで追加の可撓性を提供して、機能を阻害することがある第二抗体の立体束縛を防止した。

10

【0247】

最初の骨格抗体は、大腸菌HSP70タンパク質に対する抗体であった。このHSP70抗原を、先に述べたようにして（上記図14参照）、重鎖のみ抗体遺伝子座を含有するトランスジェニックマウスに注射した。標準のハイブリドーマ融合法によって、これらの動物からモノクローナル抗体を生成させた（上記事項参照）。次に、抗HSP抗体をコードするcDNAを、標準のRT-PCR組換えDNA法によってクローニングして、5'末端から3'末端まで（N末端からCOOH末端までのタンパク質の）、開始コドンATG、シグナルペプチドの配列、可変ドメインVHH1（Janssens et al参照）、組換えたDとJの領域及びC2の定常領域（CH1領域を欠いている）を含有するが、ストップコドンとポリA部位を含むプラスミドを得た（図22の左上部）。フォワードプライマーとリバースプライマーを使ってクローニングするため、抗HSP70抗体をコードするcDNAをPCRで増幅した。

20

【0248】

フォワードプライマーは、クローニングを行なうためのEcoRI部位（下線）、有効な翻訳開始配列（太文字）及び通常の開始コドン（二重下線）を提供する

【化2】

CTGGAATTCTAACCATGGAGCTGGGGCTGAGC

30

であった。

【0249】

リバースプライマーは、HindIIIクローニング部位（下線）を提供し通常のストップコドンを保持する

【化3】

GACAAGCTTACCCGGAGACAGGGAGAGGC

であった。

【0250】

したがって、増幅によって、EcoRI部位（下線）を含有するEcoRI/HindIIIフラグメントに、抗HSP抗体遺伝子の有効翻訳開始配列（太字）と通常の開始コドン（二重下線）が導入される。

40

【0251】

リバース3'末端プライマーは、HindIIIクローニング部位（下線）を提供し通常のストップコドンを除く

【化4】

GACAAGCTTACCCGGAGACAGGGAGAGGC

50

であった。これによって、プロモーター配列中にクローン化するための E c o R I 部位、及び発現プラスミドに対して 5' 末端を、かつ新たなヒンジ配列に対して 3' 末端をクローン化するための H i n d I I I 部位を有するフラグメント（図 22 の頂部から 2 行目の左）を得た（下記参照）。最後に、そのフラグメントを E c o R I 及び H i n d I I I で切断して、クローニングのための適正な単一標準末端を提供した。

【0252】

第二特異性をもたらす第二クローン化抗体は、ブタレトロウイルス（ P E R V ） g a g 抗原に対するラマ抗体の V H H ドメインを含んでいた（ D e k k e r e t a l . , (2 0 0 3) J . V i r o l . , 7 7 (2 2) : 1 2 1 3 2 - 9 , 図 22 頂部右）。抗 g a g は、以下のプライマーすなわちフォワードプライマー：

【化 5】

GTCCTCGAGGCCAGGTCCAACTGCAGGAGTCTG

及びリバースプライマー：

【化 6】

GTCGAATTCTCATTCCGAGGAGACGGTGACCTGGGTC

を使って標準の P C R 増幅法で増幅した。これは、5' 末端を新しいヒンジを有するフレームにクローン化するための X h o I 部位（二重下線）（下記参照）及び 3' 末端を発現プラスミド中にクローン化するための E c o R I 部位（下線）（図 22 右中央）を有する増幅フラグメント（図 22 頂部から 2 行目の右側）を提供する。最後に、そのフラグメントを E c o R I と X h o I で切断して、クローン化するための一本鎖末端を生成させた。

【0253】

これら二つの抗体の配列を、前記新しいヒンジによって組み合わせて一つのダイアボディにした。その新しいヒンジは、クローン化するための 5' と 3' のオーバーハング（ o v e r h a n g ）（それぞれ H i n d I I I と X h o I コンパティブル）を有する二本鎖オリゴヌクレオチドを形成する二つのオリゴヌクレオチドから作製した。このヒンジは、抗 H S P 7 0 配列の末端及び抗 g a g 配列の開始部分を有するフレーム内に位置するように設計した。ヒト I g G 2 ヒンジ中に通常存在しているスルフィド架橋が生成することは、システイン（二重下線）をプロリン（下線）で置換することによって防止した。このプロリンは、ヒンジに追加の可撓性を付加して、第一抗体の C O O H 末端にヒンジによって接続されることになる第二抗体ドメインを適正に機能させる。

【0254】

通常の I g G ヒンジの配列（システインコドンは二重下線、プロリンコドンは下線）：

【化 7】

GAGCGCAAATGTTGTCGAGTGCCCACCGTGCCCC

及びその相補鎖は、

【化 8】

AGCTTCTGAGCGCAAACCACCAGTCGAGCCACCACGCCACCAC

及びその相補鎖：

10

20

30

40

【化9】

TCGAGTGGTGGCGGTGGTGGCTCGACTGGTGGTTGCGCTCAGA

で置換した。またこれは、クローン化するための H i n d I I I 部位（太字）と X h o I 部位（イタリック体）とコンパティブルの二つの一本鎖末端を有するフラグメント（白囲み枠のヒンジ、図 22 の中央）を提供する。

【0255】

これら三つのフラグメント（抗 H S P 7 0 I g G 2 、ヒンジ及び抗 g a g ）は、次いで鶏アクチンプロモーターと C M V エンハンサー配列を含有するブルースクリプト（ b l u e s c r i p t ）（ P b l u e s c r i p t 1 1 s k + ）発現プラスミド（図 22 の発現プラスミド）中に、標準の組換え D N A 技術で連結した。このプラスミドが発現されると（下記参照）、図 22 の下部に示すダイアボディが生成する。

10

【0256】

ダイアボディ発現プラスミドを増殖させて、標準の方法（ S u p e r f e c t ）によつて、 C H O 細胞中に、プラスミド p G K - h y g r o （トランスフェクトされた細胞を選択させるため）とともに同時トランスフェクトされた（図 23 ）。ハイグロマイシンを含有する培地で陽性のクローンを選択し、次いで抗ヒト I g G - H R P 検出法を使って C H O 細胞が分泌したダイアボディを含有する増殖培地の抗 g a g E L I S A 標準分析（ D e k k e r e t a l . , J . V i r o l . 2 0 0 3 ）を実施して、ダイアボディを発現した場合、陽性とした。抗 a g a 活性を試験して陽性であれば、 g a g の特異性はそのダイアボディのバックエンド（ C O O H 末端）にあるので、所与のクローンは恐らく間違なく全ダイアボディを発現しているであろう。 H S P 7 0 に関する次の E L I S A 分析の結果も陽性であった。プラスミドから発現されたタンパク質が、 1 1 0 k D の二量体（図 23 の下部に示す）であったことを示すために、 5 5 k D のモノマー（非還元条件と還元条件でのウエスタンプロット、図 23 の右）と比較して、非還元条件下及び還元条件下にて E L I S A 法で選択したこれらクローンのウエスタンプロットを実施した。したがつて、 E L I S A 分析結果とウエスタンプロットはともに、ダイアボディが、トランスフェクトされた C H O 細胞によって二量体として発現されて培地中に分泌され（ > 7 0 n g / m l ）そしてその抗体は H S P 7 0 及び g a g の抗原と結合できることを示している。しかし、その二量体のダイアボディ分子が前記抗原の両方に同時に結合できることは示していない。

20

【0257】

したがつて、追跡実験を実施した。まず、 g a g 抗原をプラスチック製ウェル（図 24 中央の第一ウェル）の底に固定した。次いで、クローン 1 の C H O 細胞上澄み液を適用した後、ダイアボディ（図 24 の頂部）を第一抗原（ g a g ）で捕獲した（図 24 中央の第二ウェル）。続いて、十分に洗浄し、次いで第二抗原（ H S P 7 0 、図 24 中央の第三ウェル）を適用し続いて再び十分洗浄した。二重特異性抗体分子は、両抗原と同時に結合できたならば、第一抗原（ g a g ）と結合し次いで第二抗原（ H S P 7 0 ）を捕獲することによってウェルの底に捕獲されているはずである。次いで全複合体をウェルから溶離したところ（図 24 中央の右側ウェル）、ダイアボディ体と両抗原が、ウエスタンプロット上に目視できるようになった（図 24 の下部）。

30

【0258】

分泌されたダイアボディを収集するために、 C H O クローンを、同じ標準条件下で、抗体をハイブリドーマから集めるのに使用する培地（ S I G M A ハイブリドーマ培地、血清無し）内で増殖させた。

40

【0259】

方法： N u n c - I mm u n o p l a t e (M a x i s o r p) のウェルに、精製組換え g a g タンパク質（ P B S 中 1 2 . 5 μ g / u l ） O / N 4 C をコートした。 1 % ミルク / 1 % B S A 含有 P B S で 2 時間プロックした。 P B S - ミルク - B S A で 2 倍に

50

希釈した C H O - D B クローン 1 培地（又は対照）を、室温（R T）で 3 時間インキュベートした。P B S - ミルク - B S A で 2 倍に希釈した細菌 B 1 2 1 の溶解物（H P S 7 0 タンパク質を含有する）を、R T で 3 時間インキュベートし次いで洗浄した。結合したタンパク質を、2 - メルカプトエタノールを含有するレムリー（L a e m m l i）の試料緩衝液で溶離した。これら試料をウエスタンプロット法で分析した。したがって 1 0 % S D S - P A G E に泳動させ次いでニトロセルロース膜上にプロットした。そのプロットを P B S - ミルク - B S A で 2 時間ブロックし次いで第一抗体とともにインキュベートした。産生物を、目に見える染色を実施できる酵素に結合された第二抗体を使う標準法で目視可能にした。使用した試薬は下記の通りである。

抗 g a g : ウサギポリクローナル（1 : 2 0 0 0 ）2 時間 R T

10

抗ダイアボディ体 : ヤギ ヒト I g G - H R P (1 : 2 5 0 0) 2 時間 R T

抗 H S P 7 0 : モノクローナル G 2 0 - 3 8 0 培地 (1 : 2) 2 時間 R T

二次抗体は、ヤギ抗ウサギ - A P (1 : 2 0 0 0) 2 時間 R T 及び H S P 7 0 モノクローナルに対するヤギ抗ヒト I g G - H R P (1 : 2 5 0 0) 2 時間 R T であった。

【 0 2 6 0 】

タンパク質のバンドを目視可能にするために、アルカリホスファターゼ（A P）と反応する第一 N B T / B C I P 基質（紫色）及び西洋ワサビペルオキシダーゼ（H R P）と反応する第二 D A B 基質（褐色）を使用した。

【 0 2 6 1 】

洗浄ステップは全て、P B S - 0 . 0 5 % Tween - 2 0 で実施した。

20

【 0 2 6 2 】

一成分を除外するか又はダイアボディを產生しない C H O 細胞由来の培地を添加することによって対照試験を実施した（図 2 4）。すなわちダイアボディ無しの適用（トランスフェクトされていない C O 細胞由来の培地）を欠いているので g a g のみを有するレーン 2 ; ウェルの底に g a g を欠いているので（ミルクタンパク質で置換されている）産生物が全く無いレーン 3 ; g a g とダイアボディを欠いているので産生物が全く無いレーン 4 ; H S P 7 0 抗原を欠いているので（ミルク抗原で置換されている）ダイアボディと g a g だけを有するレーン 5 ; H S P 7 0 とダイアボディを欠いているので g a g だけを有するレーン 6 を利用して行なった。

【 0 2 6 3 】

30

全 3 成分（ダイアボディ + 両抗原）は、3 成分全てを受け取ったレーン 1 のウェルにのみ存在していることは（図 2 4 の下部の図参照）、単一のダイアボディが両抗原に同時に結合することを示している。

【 0 2 6 4 】

< 二重特異性 I g A 又は多重特異性 I g M の生成 >

二重特異性 I g A の生成は、I g G について先に述べたのとほぼ同じであるが、V h s o 1 、D 及び J に加えて、I g A を生成する定常領域 C を使用する（図 2 5）。

【 0 2 6 5 】

I g M の生成はほとんど同じであるが、I g M 分子は大きい多量体を形成することがあるので（J 鎌があっても無くても）追加の可能性を提供する。したがって、上記分子に類似の分子に加えて（図 2 6 下部右、多量体化配列を除いた後）、異なる特異性を有する I g M を単に同時発現することによって多量体を生成させることもできる（図 2 6 下部左）。

40

【 実施例 3 】

【 0 2 6 6 】

P S C A (前立腺幹細胞抗原) に結合する結合ドメイン及び J u n のロイシンジッパー モチーフと抗体ヒンジからなる会合ドメインを含む重鎖並びに F o s のロイシンジッパー モチーフからなる相補的会合ドメイン、C H 2 ドメイン及び C H 3 ドメインを含む軽鎖を 含むポリペプチド複合体をコードする発現ベクターを、S a m b r o o k e t a l . (1 9 8 9) M o l e c u l a r C l o n i n g - A L a b o r a t o r y M a n

50

ual, Cold Spring Harbor Laboratory Pressによって記載されているような分子生物学の技術を使って構築する。

【0267】

その発現ベクターを、次に、通常の技術によって、適切な宿主細胞に移行させて、そのベクターを最適に発現するトランスフェクトされた宿主細胞を作製する。前記トランスフェクトされたか又は形質転換された宿主細胞を、次に当業者に知られている任意の適切な方法を使って培養して本発明のポリペプチド複合体を産生させる。

【0268】

ポリペプチド複合体は、産生されたならば、クロスフロー濾過法、硫酸アンモニウム沈殿法及びアフィニティカラムクロマトグラフィ（例えば、プロテインA）を含む当分野の標準方法で精製する。

【0269】

次に当業者に知られている技術を使って、3, 3' - ジインドリルメタン（DIM）からなる可溶性エフェクタードメインを、相補的会合ドメインに融合させる。

【実施例4】

【0270】

A F P（抗フェトプロテイン）に結合する可溶性V H H結合ドメイン並びにJ unのロイシンジッパー モチーフ及び抗体ヒンジからなる会合ドメイン、C H 2ドメイン及びC H 3ドメインを含む本発明のポリペプチド複合体の重鎖をコードする発現ベクターを、S amb rook et alに記載されている分子生物学の技術を使って構築する。

【0271】

本発明のポリペプチド複合体の軽鎖をコードする第二発現ベクターも構築する。これは、F osのロイシンジッパー モチーフからなる相補的会合ドメインを含む。

【0272】

次にこれら発現ベクターは、通常の技術によって適切な宿主細胞に移され、そのベクターを最適に発現する同時にトランスフェクトされた宿主細胞が産生される。次にこれらのトランスフェクトされたか又は形質転換された宿主細胞は、当業者に知られている任意の適切な技術を使って培養されて、本発明のポリペプチド複合体を産生する。

【0273】

ポリペプチド複合体は、産生されたならば、クロスフロー濾過法、硫酸アンモニウム沈殿法及びアフィニティカラムクロマトグラフィ（例えば、プロテインA）を含む当分野の標準方法で精製する。

【0274】

次に当業者に知られている技術を使って、3, 3' - ジインドリルメタン（DIM）からなる可溶性エフェクタードメインを、相補的会合ドメインに融合させる。

【実施例5】

【0275】

< V C A M と V L A - 4 >

P S C A（前立腺幹細胞抗原）に結合する結合ドメイン及びV C A Mと抗体ヒンジからなる会合ドメイン、C H 2ドメイン及びC H 3ドメインを含む重鎖；並びにリシンA毒素に融合したV L A - 4からなる相補的会合ドメインを含む軽鎖を含むポリペプチド複合体をコードする発現ベクターを、S amb rook et alに記載されている分子生物学の技術を使って構築する。

【0276】

次にその発現ベクターは、通常の技術によって適切な宿主細胞に移され、そのベクターを最適に発現するトランスフェクトされた宿主細胞が産生される。次にそのトランスフェクトされたか又は形質転換された宿主細胞は、当業者に知られている任意の適切な技術を使って培養されて、本発明のポリペプチド複合体を産生する。

【0277】

ポリペプチド複合体は、産生されたならば、クロスフロー濾過法、硫酸アンモニウム沈

10

20

30

40

50

沈殿法及びアフィニティカラムクロマトグラフィ（例えば、プロテインA）を含む当分野の標準方法で精製する。

【実施例6】

【0278】

P S C A（前立腺幹細胞抗原）に結合する結合ドメイン及びJ u nのロイシンジッパー モチーフと抗体ヒンジからなる会合ドメイン、C H 2 ドメイン及びC H 3 ドメインを含む重鎖；並びにF o sのロイシンジッパー モチーフ及びプリンヌクレオシドホスホリラーゼ（P N P）をコードする可溶性エフェクタードメインからなる相補的会合ドメインを含む軽鎖を含むポリペプチド複合体をコードする発現ベクターを、S a m b r o o k e t a lに記載されている分子生物学の技術を使って構築する。

10

【0279】

次にその発現ベクターは、通常の技術によって適切な宿主細胞に移され、そのベクターを最適に発現するトランスフェクトされた宿主細胞が產生される。次にそのトランスフェクトされたか又は形質転換された宿主細胞は、当業者に知られている任意の適切な技術を使って培養されて、本発明のポリペプチド複合体を產生する。

【0280】

ポリペプチド複合体は、產生されたならば、クロスフロー濾過法、硫酸アンモニウム沈殿法及びアフィニティカラムクロマトグラフィ（例えば、プロテインA）を含む当分野の標準方法で精製する。

20

【0281】

P N Pは、フルダラビンを、P N P酵素を含む細胞を殺し次いでさらに拡散して周囲の未感染細胞を殺す毒性代謝産物の2-フルオロアデニンに変換する（局部バイスタンダーエff果）。

【実施例7】

【0282】

糖タンパク質抗原g p 1 2 0のV 3 - P N D領域に結合する可溶性V H H結合ドメイン並びにJ u nのロイシンジッパー モチーフ及び抗体ヒンジからなる会合ドメイン、C H 2 ドメイン及びC H 3 ドメインを含む本発明のポリペプチド複合体の第一の重鎖をコードする発現ベクターを、S a m b r o o k e t a lに記載されている分子生物学の技術を使って構築する。

30

【0283】

G P - 4 1に結合する可溶性V H H結合ドメイン並びにJ u nのロイシンジッパー モチーフ及び抗体ヒンジ、C H 2 とC H 3 のドメインからなる会合ドメインを含む本発明のポリペプチド複合体の第二の重鎖をコードする第二発現ベクターも構築する。

【0284】

本発明のポリペプチド複合体の軽鎖をコードする第三発現ベクターも構築する。このベクターはF o sのロイシンジッパー モチーフからなる相補的会合ドメインを含む。

【0285】

次にこれら発現ベクターは、通常の技術によって適切な宿主細胞に移され、そのベクターを最適に発現する同時にトランスフェクトされた宿主細胞が產生される。次にそのトランスフェクトされたか又は形質転換された宿主細胞は、当業者に知られている任意の適切な技術を使って培養されて、本発明のポリペプチド複合体を產生する。

40

【0286】

ポリペプチド複合体は、產生されたならば、クロスフロー濾過法、硫酸アンモニウム沈殿法及びアフィニティカラムクロマトグラフィ（例えば、プロテインA）を含む当分野の標準方法で精製する。

【0287】

次いでH I V - 1 M N V 3 (P N D)ペプチド免疫原からなる可溶性エフェクタードメインを、当業者に知られている技術を使って、前記相補的会合ドメインに融合させる。

50

【実施例 8】

【0288】

糖タンパク質抗原のV3-PND領域に結合する可溶性VHH結合ドメインを含む本発明のポリペプチド複合体の第一の重鎖をコードする発現ベクターを、Sambrook et al., (1989) Molecular Cloning - A Laboratory Manual, Cold Spring Harbor Laboratory Pressに記載されている分子生物学の技術を使って構築する。

【0289】

GP-41に結合する可溶性VHH結合ドメインを含む本発明のポリペプチド複合体の第二の重鎖をコードする第二発現ベクターも構築する。

10

【0290】

これら二つの重鎖は、これら二つの重鎖の定常領域が同一のμ、CH2、CH3及びCH4のドメインを含むことが特徴である。

【0291】

次にこれらの発現ベクターは、通常の方法でJ鎖を恒常に発現する宿主細胞に移され、そのベクターを最適に発現する同時にトランスフェクトされた宿主細胞を產生する。次にそのトランスフェクトされたか又は形質転換された宿主細胞は、当業者に知られている任意の適切な技術を使って培養されて、本発明のポリペプチド複合体を产生する。

【0292】

ポリペプチド複合体は、產生されたならば、クロスフロー濾過法、硫酸アンモニウム沈殿法及びアフィニティカラムクロマトグラフィ（例えば、プロテインA）を含む当分野の標準方法で精製する。

20

【0293】

次いでHIV-1 MN V3(PND)ペプチド免疫原からなる可溶性エフェクタードメインを、当業者に知られている技術を使って、前記相補的会合ドメインに融合させる。

【0294】

本明細書に挙げた刊行物は全て参考により本明細書に組み込まれるものである。

【0295】

本発明の前記方法とシステムの各種変形と変化が本発明の範囲と精神から逸脱しないことは、当業者には明らかであろう。本発明は、特定の好ましい実施形態に関連させて説明してきたが、特許請求の範囲に記載されている本発明は、このような特定の実施形態に不当に限定されるべきでないと解すべきである。実際に、生化学、分子生物学及びバイオテクノロジー又は関連分野の当業者には明らかに、本発明を実施するため述べた方式の各種変形は、特許請求の範囲に含まれるものである。

30

【図面の簡単な説明】

【0296】

【図1A-B】結合ドメイン(V_H)、二量体化ドメイン（任意選択的にCH2、CH3及びCH4）並びにエフェクター部分(EM)を含むポリペプチド複合体を示す。結合ドメインとエフェクター部分は、二量体化ドメインのアミノ末端又はカルボキシ末端に配置できる。可撓性リンカー(<->)及びヒンジ

40

【数1】

(1)

領域を示す。

【図2A-B】結合ドメインの異なる配置構成及び別の結合ドメインによるエフェクター部分の置換を示す。A. ホモ二量体が產生されるので好ましい選択肢である。産物を分離することは不要である。B. ホモ二量体とヘテロ二量体の混合物が產生される。産物を分離することが必要である。

50

【図3】エフェクター鎖と会合する重鎖ポリペプチド複合体を示す。そのエフェクター

鎖は、相補的結合ドメイン（C B D）とエフェクター部分（E M）を含む。C B Dは重鎖のE Mによって認識される。C B Dは、エフェクター例えば酵素、毒素、キレート化剤、造影剤に又はこのエフェクターの一部に融合される。エフェクター鎖は、重鎖とは別個に合成できる。

【図4】J鎖で連結している二価の分泌IgAを示す。

【図5】J鎖で会合されている多価重鎖のみIgM様ポリペプチド複合体を示す。

【図6】IgG遺伝子座を発現するトランスジェニックマウスを生成させ、次いで抗原を投与して、重鎖のみ抗体とV Hドメインの機能を発生させる方法を示す。

【図7】IgM遺伝子座を発現するトランスジェニックマウスを生成させ、次いで抗原を投与して、重鎖のみ抗体とV Hドメインの機能を発生させる方法を示す。

【図8】IgA遺伝子座を発現するトランスジェニックマウスを生成させ、次いで抗原を投与して、重鎖のみ抗体とV Hドメインの機能を発生させる方法を示す。

【図9】ヒトC2プライマーとV_{HH}1及びV_{HH}2のプライマーを組み合わせて使って、C H 1を除くためにラクダのスプライス変異を有する定常領域を含む遺伝子座を持つマウスの骨髄cDNAから得たPCR産物の配列アラインメント。結果は、C H 1が除かれていいないことを示している。

【図10-13】V H / ラクダV H (V H H)構築物の構造。1 - nはV H遺伝子又はDもしくはJのセグメントの数を表す。ヒト遺伝子座の通常の相補鎖は、51個のV遺伝子、25個の機能性Dセグメント（プラス2個の非機能性Dセグメント）及び6個のJセグメントである。C_μ (IgM用)又はC (IgE用)の領域の場合、H領域は無く、C H 3とM 1の間に追加のC H 4エキソンがある。その單一又は複数のV H遺伝子は変異していて、公有ドメインに、記載されているような可溶性を提供する。V H遺伝子、DとJのセグメント及びCエキソンはヒトのものが好ましいが、ラクダを含む他の任意の種由来のものでもよい。後者の場合、ラクダのV H (V H H)遺伝子は、天然で可溶性なので変異されない。

【図14】マウスの免疫のスケジュール及び大腸菌HSP70に対する重鎖のみIgG生成の抗体検定を示す。

【図15】トランスジェニックマウス由来の脾臓細胞に関するフローサイトメトリー分析と免疫組織化学試験の結果を示す。

【図16】DKTPで免疫されたトランスジェニックマウスのELISA分析の結果及び生成した抗体ライブラリーの配列分析の結果を示す。

【図17】免疫されたトランスジェニックマウスにみられる体細胞の変異とV D Jの再構成の例を示す。

【図18】A5抗体を含有する応答プラスミドでトランスフェクトされたTet-on細胞系の免疫染色検定を行った結果を示す。

【図19】トランスジェニックマウス系の血清のウエスタンプロット分析の結果を示す。

【図20】IgMプラスIgG遺伝子座マウスが產生したヒト一本鎖IgMと混合したヒトIgMのサイズ分画を行なった結果を示す。

【図21】ヒトTNFに対する一本鎖IgMとIgGの抗体のELISA分析の結果を示す。

【図22】HSP70と抗GAGに対する結合アフィニティを有するホモ二量体プラスミドを生成させる方法を示す。

【図23】ホモ二量体ポリペプチド複合体のCHO細胞内での機能的発現を示す。

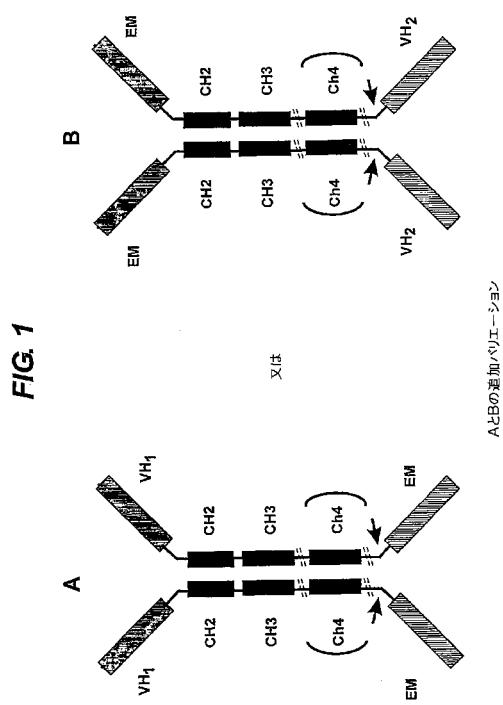
【図24】ホモ二量体ポリペプチド複合体の抗GAGとHSP70に対する同時の機能的結合を示す。二価で二重特異性の抗体を図式的に示す。第二可変領域(gagに対するV H H 2)を、他の特異性を含有する重鎖のみ抗体(HSP70に対するV H H 1)のカルボキシ末端中にクローニングする。C H 3とV H H 2の間のヒンジ領域は、全てのシステインがプロリンで置換されたリンカー領域(矢印)で置換されている。ELISAプレートをGagでコートし、1%ミルク/1%BSA含有PBSでブロックし、まずダイアボディ培地(1:2希釈)でインキュベートし、次にB121細胞溶解物(HSP70を含有

) (1:2希釈)でインキュベートする。結合したタンパク質を試料緩衝剤=2-メルカプトエタノールで溶離し次いで8%ゲル上に泳動させる。Gag、ダイアボディ及びHSP70に対するポリモノクローナル抗体で染色する。抗Gag:ウサギポリクローナル/ブタ抗ウサギ-AP(青色)。抗HSP70:モノクローナル/ヤギ抗ヒトIgG-HRP(褐色)。ダイアボディ:ヤギ抗ヒトIgG-HRP(褐色)。レーン1:Gag/ダイアボディ/B121細胞溶解物。レーン2:Gag/培養培地(ダイアボディの陰性対照)/B121。レーン3:ミルク-BSA/ダイアボディ/B121。レーン4:ミルク-BSA/培養培地/B121。レーン5:Gag/ダイアボディ/ミルク-BSA。レーン6:Gag培養培地/ミルク-BSA。

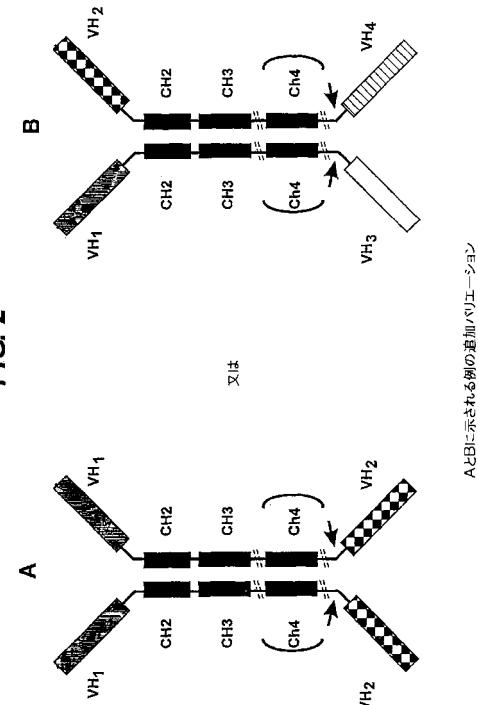
【図25】IgAエフェクター機能を有するエフェクター鎖と任意選択的に会合しているホモ二量体のポリペプチド複合体を生成させる方法を示す。
10

【図26】IgAエフェクター機能を有するエフェクター鎖と任意選択的に会合しているホモ二量体のポリペプチド複合体を生成させる方法を示す。

【図1】



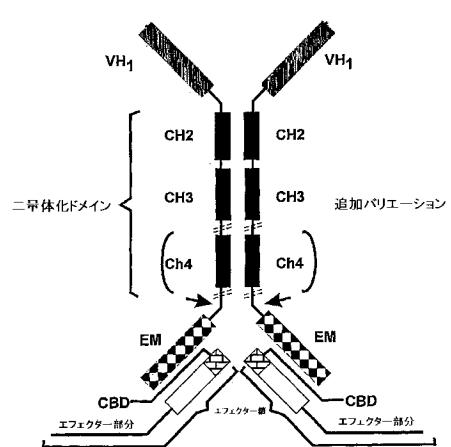
【図2】



AとBに示される例の追加バリエーション

【図3】

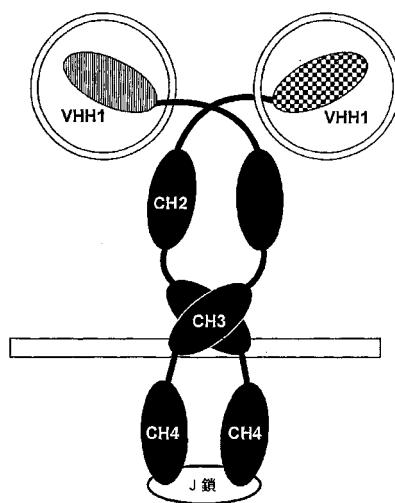
FIG. 3



【図4】

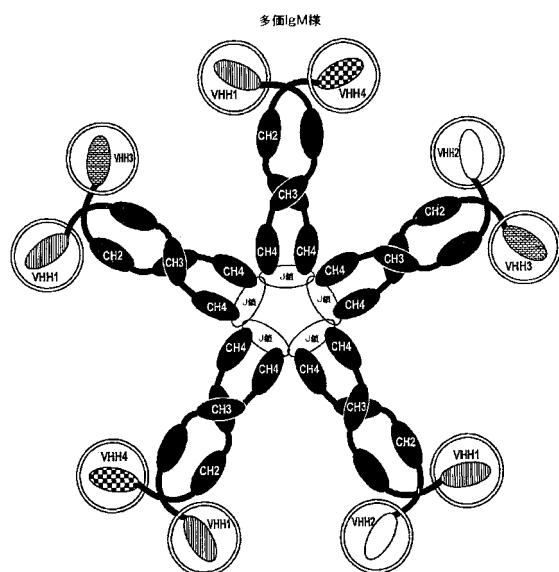
FIG. 4

二価の分泌 IgA

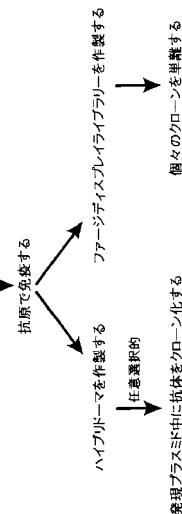
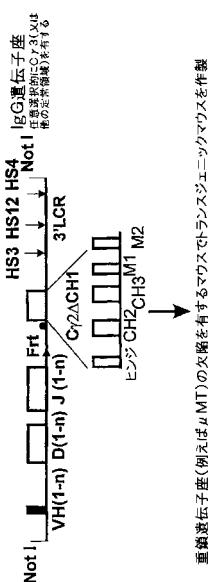


【図5】

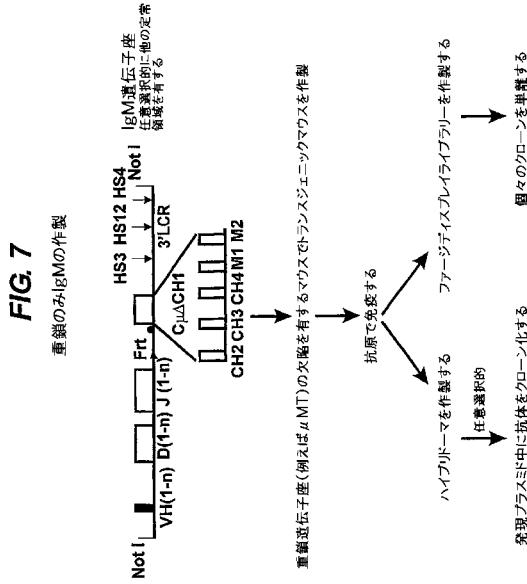
FIG. 5



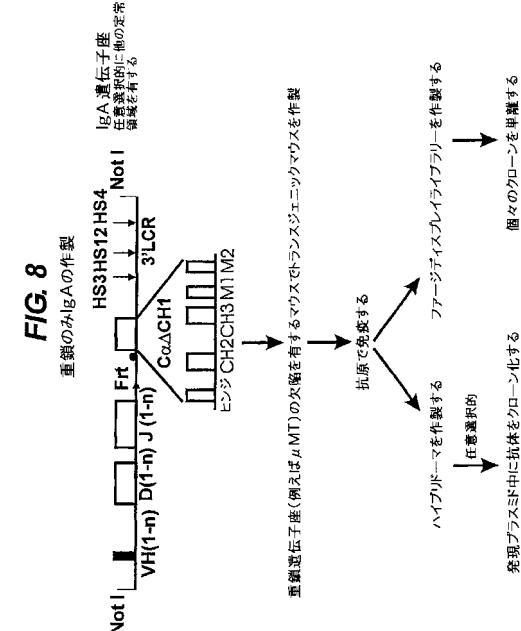
【図6】

FIG. 6
重鎖のμIgGの作製

【 四 7 】

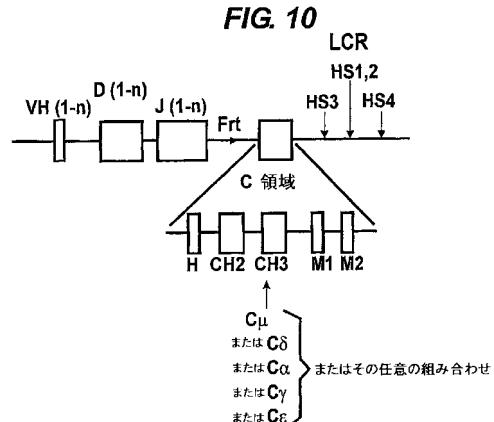


〔 四 8 〕

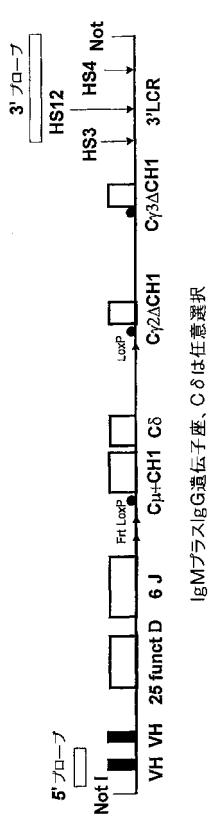


【 义 9 】

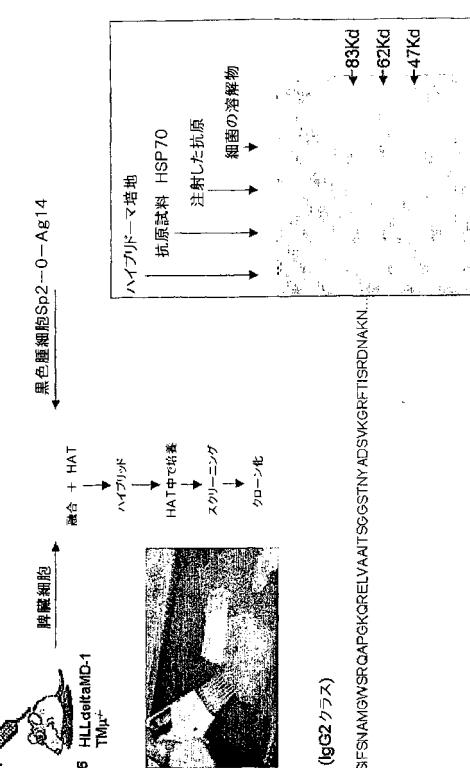
【 図 1 0 】



【 図 1 1 】

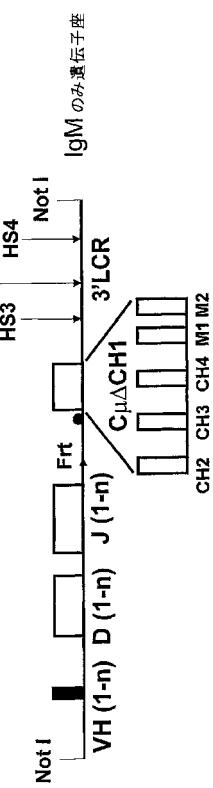


【図 1-4】

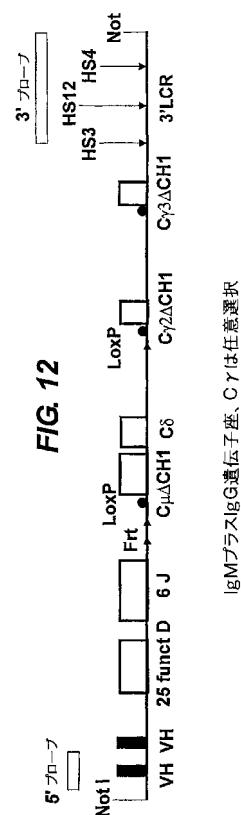


G18 HCAB (IgG2 クラス)
VH12
RLSCAASGSFNSNAMGIWSRQAPGKQRELVAAUTSGGSTINYACDSVKGRFTISRDNAKNC

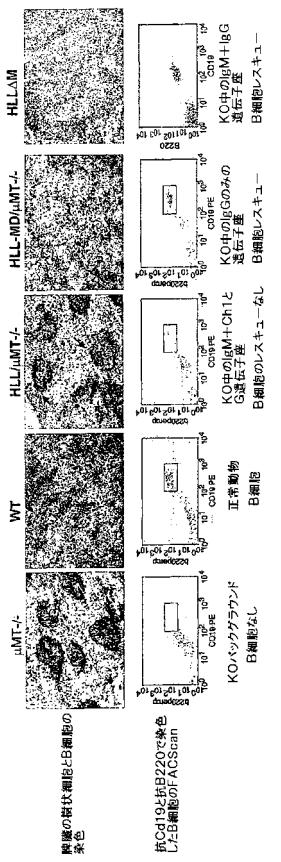
FIG. 11



【 図 1 2 】



【 図 1 5 】



【 図 17 】

FIG. 17

【 図 1 8 】

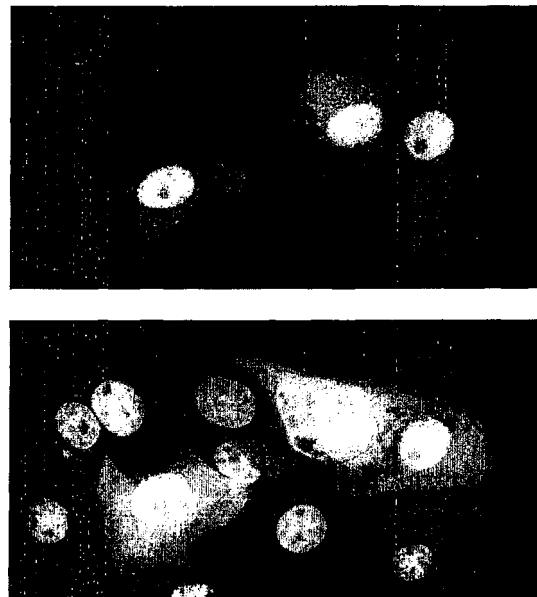


FIG. 18

FIG. 16

| | | |
|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
|  ELSA陽性クローネンの特異性群解析 フィンガープリント分析 | <u>CDR3</u> 1 RLSCAAGSISFINAMGMYRAQPKQRELAATSGSTINYADSKVGRFTSDNAKNTYQLQNSLKPDEDIAYYYCNAESPTI 2 RLSCAAGSISFINAMGMYRAQPKQRELAATSGSTINYADSKVGRFTSDNAKNTYQLQNSLKPDEDIAYYYCNAESPTI 3 RLSCAAGSISFINAMGMYRAQPKQRELAATSGSTINYADSKVGRFTSDNAKNTYQLQNSLKPDEDIAYYYCNAESPTI 4 RLSCAAGSISFINAMGMYRAQPKQRELAATSGSTINYADSKVGRFTSDNAKNTYQLQNSLKPDEDIAYYYCNAESPTI 5 RLSCAAGSISFINAMGMYRAQPKQRELAATSGSTINYADSKVGRFTSDNAKNTYQLQNSLKPDEDIAYYYCNAESPTI | <u>CDR3</u> ピンジVHMGQGTLYTSSERKCCV..VHMGQGTLYTSSERKCCV..VHMGQGTLYTSSERKCCV..VHMGQGTLYTSSERKCCV.. |
| | | 上記1行が一ブロック解釈で星印で示したクローンの配列。 短いCDR3領域に注目。 |

【図16】

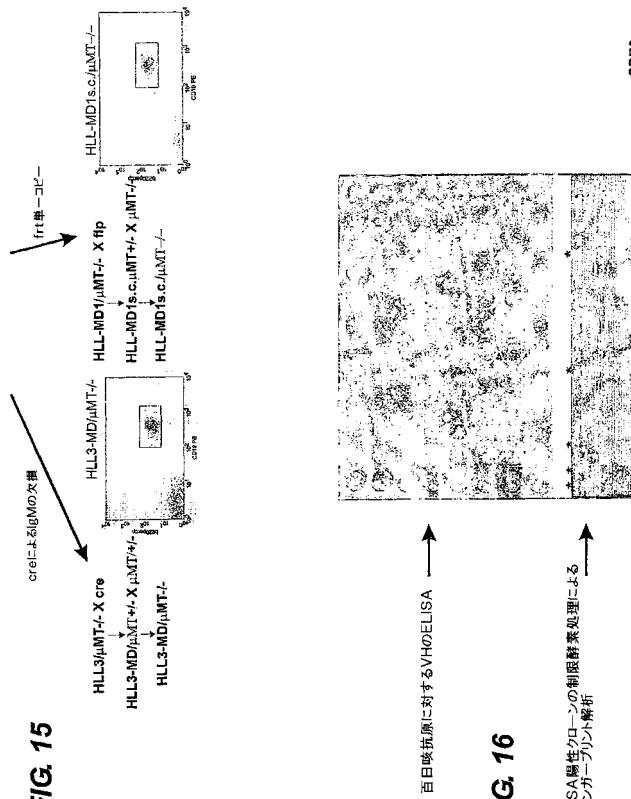
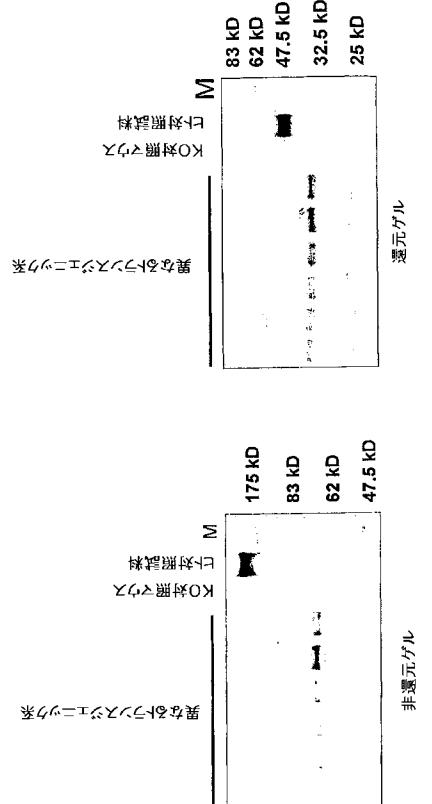
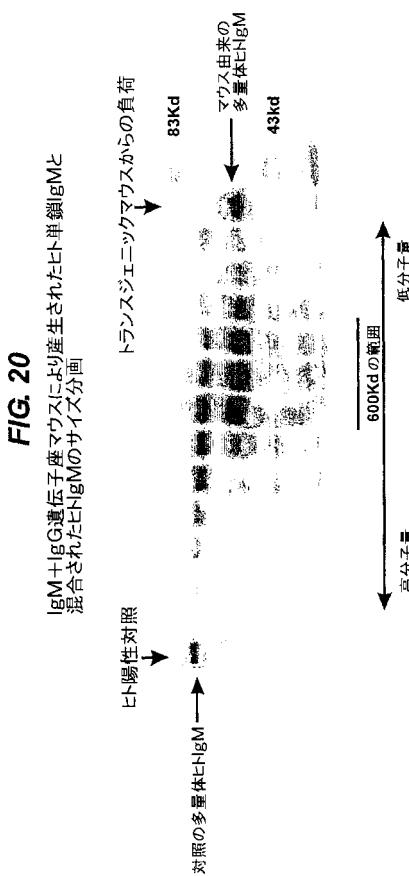


FIG. 15

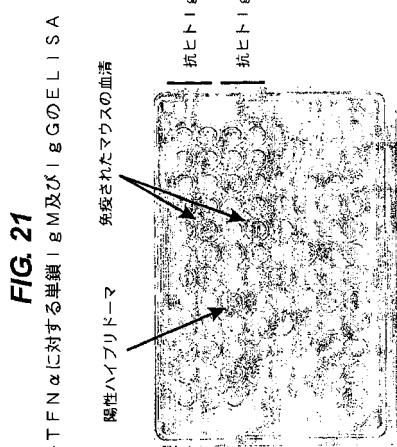
【図 19】



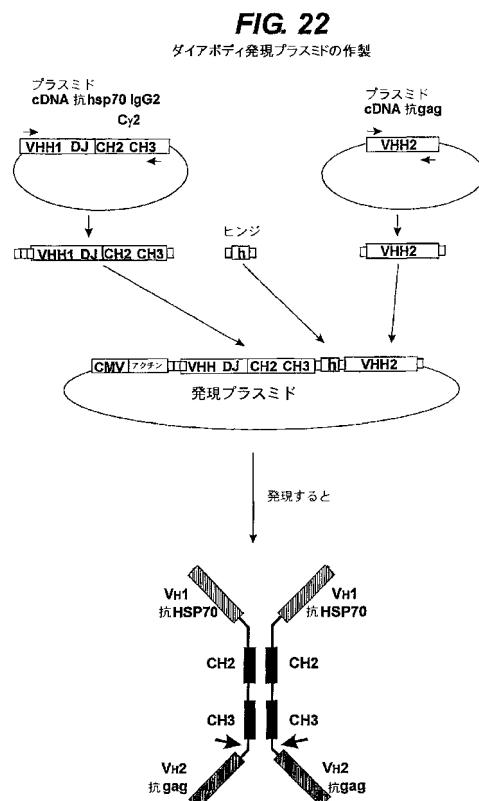
【図 20】



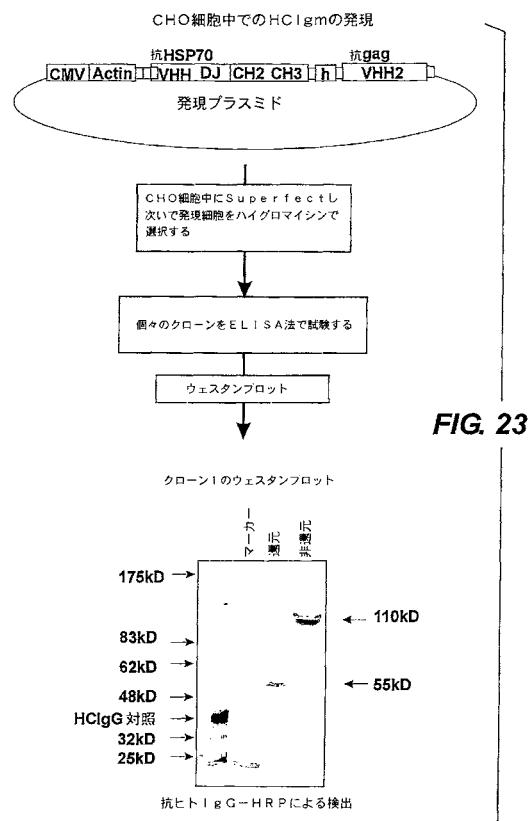
【図 21】



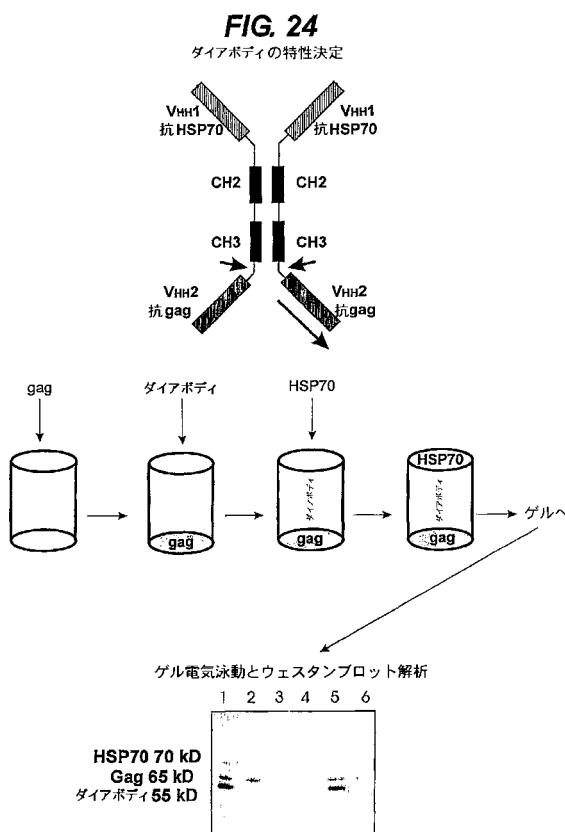
【図 22】



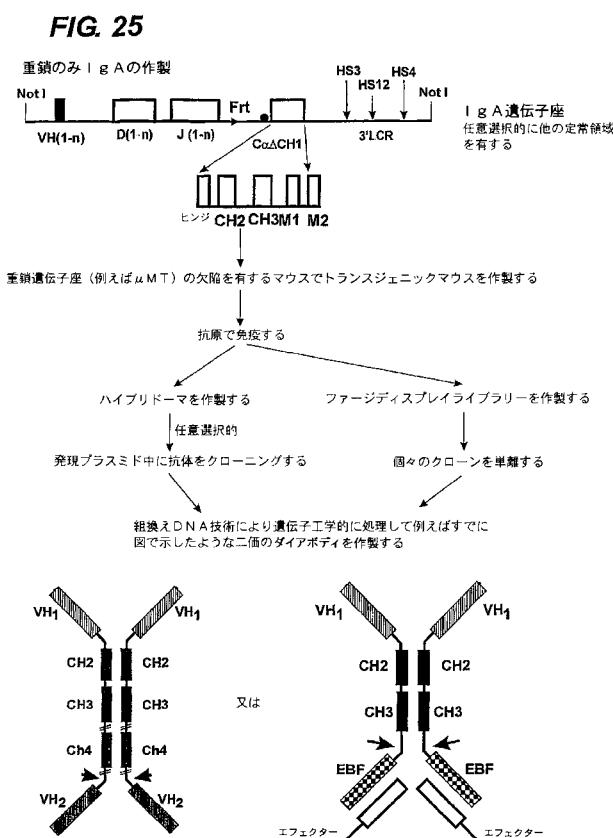
【図23】



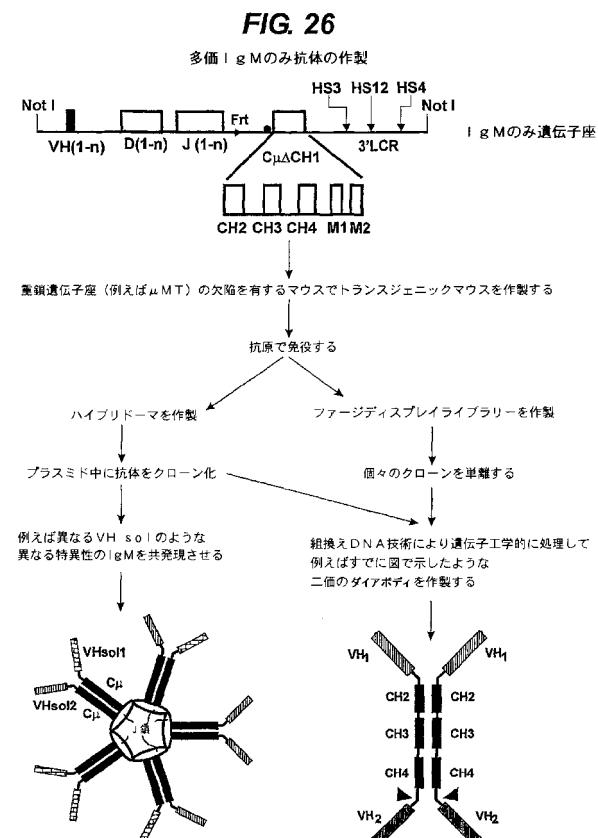
【図24】



【図25】



【図26】



【国際調査報告】

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

| | |
|----------------------|------------------------------|
| In | international application No |
| I ..., GB2005/002892 | |

| A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER | | |
|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--------------------------------------------------------------|
| C07K16/00 A01K67/027 C12N5/10 | | |
| According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC | | |
| B. FIELDS SEARCHED | | |
| Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols) C07K | | |
| Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched | | |
| Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practical, search terms used) EPO-Internal, WPI Data, PAJ, BIOSIS, EMBASE, MEDLINE | | |
| C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT | | |
| Category ^a | Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages | Relevant to claim No. |
| X | WO 2004/049794 A (THE BABRAHAM INSTITUTE; BRUEGEMANN, MARIANNE) 17 June 2004 (2004-06-17) the whole document | 1-40 |
| X | WO 02/085945 A (ERASMUS UNIVERSITEIT ROTTERDAM; GROSVELD, FRANK) 31 October 2002 (2002-10-31) cited in the application the whole document | 1-40 |
| Y | WO 02/085944 A (ERASMUS UNIVERSITEIT ROTTERDAM; GROSVELD, FRANK) 31 October 2002 (2002-10-31) cited in the application the whole document | 41-43, 64-73 |
| X | ----- | 1-40 |
| Y | ----- | 41-43, 64-73 |
| | | -/- |
| <input checked="" type="checkbox"/> | Further documents are listed in the continuation of Box C. | <input checked="" type="checkbox"/> See patent family annex. |
| <p>* Special categories of cited documents :</p> <p>"A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance</p> <p>"E" earlier document but published on or after the international filing date</p> <p>"L" document which may throw doubt on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)</p> <p>"O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means</p> <p>"P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed</p> <p>"T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention</p> <p>"X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone</p> <p>"Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art</p> <p>"Z" document member of the same patent family</p> | | |
| Date of the actual completion of the international search | | Date of mailing of the International search report |
| 29 March 2006 | | 07.04.06 |
| Name and mailing address of the ISA/ European Patent Office, P.B. 5818 Patentlaan 2 NL - 2280 HV Rijswijk Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl, Fax: (+31-70) 340-3016 | | Authorized officer Rojo Romeo, E |

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No
GB2005/002892

| C(Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT | | |
|------------------------------------------------------|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-----------------------|
| Category* | Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages | Relevant to claim No. |
| Y | WO 02/12437 A (SCHOOTEN, WIM-VAN; BUELOW, ROLAND; PLATZER, JOSEF; BUELOW, JENS-ULRICH) 14 February 2002 (2002-02-14) the whole document | 1-40 |
| Y | HAMERS-CASTERMAN C ET AL: "NATURALLY OCCURRING ANTIBODIES DEVOID OF LIGHT CHAINS" NATURE, NATURE PUBLISHING GROUP, LONDON, GB, vol. 363, 3 June 1993 (1993-06-03), pages 446-448, XP002048619 ISSN: 0028-0836 cited in the application the whole document | 1-40 |
| Y | NICHOLSON I C ET AL: "Antibody repertoires of four- and five-feature translocus mice carrying human immunoglobulin heavy chain and kappa and Lambda light chain yeast artificial chromosomes" JOURNAL OF IMMUNOLOGY, THE WILLIAMS AND WILKINS CO. BALTIMORE, US, vol. 163, 1999, pages 6898-6906, XP002974255 ISSN: 0022-1767 the whole document | 1-40 |
| X | VAN SPRIEL A B ET AL: "Immunotherapeutic perspective for bispecific antibodies" IMMUNOLOGY TODAY, ELSEVIER PUBLICATIONS, CAMBRIDGE, GB, vol. 21, no. 8, 1 August 2000 (2000-08-01), pages 391-397, XP004215167 ISSN: 0167-5699 the whole document | 41-43, 64-73 |
| Y | RIECHMANN L ET AL: "Single domain antibodies: comparison of camel VH and camelised human VH domains" JOURNAL OF IMMUNOLOGICAL METHODS, ELSEVIER SCIENCE PUBLISHERS B.V., AMSTERDAM, NL, vol. 231, no. 1-2, 10 December 1999 (1999-12-10), pages 25-38, XP004187632 ISSN: 0022-1759 in particular, item 6.2 the whole document | 41-43, 64-73 |

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.
PCT/GB2005/002892

Box II Observations where certain claims were found unsearchable (Continuation of item 2 of first sheet)

This International Search Report has not been established in respect of certain claims under Article 17(2)(a) for the following reasons:

1. Claims Nos.: 44-63 (completely), 64-73 (partially)
because they relate to subject matter not required to be searched by this Authority, namely:
Although claim 72 is directed to a method of treatment of the human/animal body, the search has been carried out and based on the alleged effects of the compound/composition.
2. Claims Nos.:
because they relate to parts of the International Application that do not comply with the prescribed requirements to such an extent that no meaningful International Search can be carried out, specifically:
3. Claims Nos.:
because they are dependent claims and are not drafted in accordance with the second and third sentences of Rule 6.4(a).

Box III Observations where unity of invention is lacking (Continuation of Item 3 of first sheet)

This International Searching Authority found multiple Inventions in this International application, as follows:

see additional sheet

1. As all required additional search fees were timely paid by the applicant, this International Search Report covers all searchable claims.
2. As all searchable claims could be searched without effort justifying an additional fee, this Authority did not invite payment of any additional fee.
3. As only some of the required additional search fees were timely paid by the applicant, this International Search Report covers only those claims for which fees were paid, specifically claims Nos.:
1-40, 41-43 (entirely), 64-73 (partially)
4. No required additional search fees were timely paid by the applicant. Consequently, this International Search Report is restricted to the invention first mentioned in the claims; it is covered by claims Nos.:

Remark on Protest

The additional search fees were accompanied by the applicant's protest.

No protest accompanied the payment of additional search fees.

International Application No. PCT/GB2005 /002892

FURTHER INFORMATION CONTINUED FROM PCT/ISA/ 210

This International Searching Authority found multiple (groups of) inventions in this international application, as follows:

1. claims: 1-40 (entirely)

Method for the production of a VH heavy chain-only antibody in a transgenic mammal comprising the step of expressing a heterologous VH heavy chain locus in that mammal, wherein the VH heavy chain locus comprises a heavy chain constant region which does not encode a CH1 domain and which locus when expressed, is capable of forming heavy chain-only antibodies of a defined class or classes; antibodies produced by this method, uses thereof, pharmaceutical composition.

2. claims: 41-43 (entirely); 64-73 (partially)

Binding polypeptide complex comprising a dimer of a first heavy chain and a second heavy chain wherein: each heavy chain comprises a binding domain, an effector moiety and a dimerisation domain; the binding domain in the first heavy chain may be of the same specificity as, or of a different specificity from, the specificity of the binding domain in the second heavy chain; the effector moiety in the first heavy chain may have the same or different function from the effector moiety on the second heavy chain; embodiments thereof.

3. claims: 44-51 (entirely); 62-73 (partially)

A polypeptide complex comprising a pair of heavy chains and a pair of effector (light) chains, wherein: the pair of heavy chains are associated with each other; one of the effector (light) chains is associated with one of the heavy chains and the other of the effector (light) chains is associated with the other of the heavy chains; each heavy chain comprises a binding domain, a dimerisation domain and an effector moiety; the effector (light) chain comprises a complementary assembly domain having attached to it an effector moiety; and the effector domain of the heavy chain and the complementary assembly domain of the effector (light) chain associate with one another through non-covalent interactions; embodiments thereof.

4. claims: 52-62 (entirely); 62-73 (partially)

International Application No. PCT/GB2005 /002892

FURTHER INFORMATION CONTINUED FROM PCT/ISA/ 210

A binding polypeptide complex comprising a plurality of heavy chain dimers and a J chain, wherein: the plurality of heavy chain dimers are assembled by the J chain; each heavy chain comprises a soluble binding domain and identical mu CH₂, CH₃ and CH₄ domain; and there are at least two soluble binding domains having different specificities in the binding polypeptide complex; embodiments thereof.

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

Information on patent family members

| | |
|-------------------|-------------------------|
| In | National application No |
| PCT/GB2005/002892 | |

| Patent document cited in search report | | Publication date | Patent family member(s) | Publication date |
|----------------------------------------|---|------------------|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| WO 2004049794 | A | 17-06-2004 | AU 2003295086 A1 | 23-06-2004 |
| WO 02085945 | A | 31-10-2002 | BR 0209204 A BR 0209207 A CA 2445253 A1 CA 2445255 A1 CN 1518559 A CN 1520424 A EP 1414858 A2 EP 1381630 A2 WO 02085944 A2 JP 2005503128 T JP 2005503129 T MX PA03009776 A MX PA03009785 A US 2004142432 A1 US 2004137570 A1 | 06-07-2004 09-02-2005 31-10-2002 31-10-2002 04-08-2004 11-08-2004 06-05-2004 21-01-2004 31-10-2002 03-02-2005 03-02-2005 07-03-2005 07-03-2005 22-07-2004 15-07-2004 |
| WO 02085944 | A | 31-10-2002 | BR 0209204 A BR 0209207 A CA 2445253 A1 CA 2445255 A1 CN 1518559 A CN 1520424 A EP 1414858 A2 EP 1381630 A2 WO 02085945 A2 JP 2005503128 T JP 2005503129 T MX PA03009776 A MX PA03009785 A US 2004142432 A1 US 2004137570 A1 | 06-07-2004 09-02-2005 31-10-2002 31-10-2002 04-08-2004 11-08-2004 06-05-2004 21-01-2004 31-10-2002 03-02-2005 03-02-2005 07-03-2005 07-03-2005 22-07-2004 15-07-2004 |
| WO 0212437 | A | 14-02-2002 | AU 8470301 A CA 2422155 A1 CN 1468250 A EP 1311530 A2 MX PA03001915 A NO 20031054 A | 18-02-2002 14-02-2002 14-01-2004 21-05-2003 10-09-2004 02-04-2003 |

フロントページの続き

| (51) Int.Cl. | F I | テーマコード(参考) |
|--------------------------|----------------|------------|
| C 0 7 K 16/46 (2006.01) | C 0 7 K 16/46 | |
| A 6 1 P 37/00 (2006.01) | A 6 1 P 37/00 | |
| A 6 1 K 39/395 (2006.01) | A 6 1 K 39/395 | N |
| A 0 1 K 67/00 (2006.01) | A 6 1 K 39/395 | D |
| | A 0 1 K 67/00 | Z |

(81)指定国 AP(BW,GH,GM,KE,LS,MW,MZ,NA,SD,SL,SZ,TZ,UG,ZM,ZW),EA(AM,AZ,BY,KG,KZ,MD,RU,TJ,TM),EP(AT,BE,BG,CH,CY,CZ,DE,DK,EE,ES,FI,FR,GB,GR,HU,IE,IS,IT,LT,LU,LV,MC,NL,PL,PT,RO,SE,SI,SK,TR),OA(BF,BJ,CF,CG,CI,CM,GA,GN,GQ,GW,ML,MR,NE,SN,TD,TG),AE,AG,AL,AM,AT,AU,AZ,BA,BB,BG,BR,BW,BY,BZ,CA,CH,CN,CO,CR,CU,CZ,DE,DK,DM,DZ,EC,EE,EG,ES,FI,GB,GD,GE,GH,GM,HR,HU,ID,IL,IN,IS,JP,KE,KG,KM,KP,KR,KZ,LC,LK,LR,L,S,LT,LU,LV,MA,MD,MG,MK,MN,MW,MZ,NA,NG,NI,NO,NZ,OM,PG,PH,PL,PT,RO,RU,SC,SD,SE,SG,SK,SL,SM,SY,TJ,TM,TN,TR,TT,TZ,UA,UG,US,UZ,VC,VN,YU,ZA,ZM,ZW

- (74)代理人 100099623
弁理士 奥山 尚一
- (74)代理人 100096769
弁理士 有原 幸一
- (74)代理人 100107319
弁理士 松島 鉄男
- (72)発明者 クレイグ・ロジャー・キングドン
イギリス国チェシャー州シーダブリュー 11・2 エックスビー, サンドバック, スモールウッド,
スペン・モス, ジュビリー・ハウス・ファーム
- (72)発明者 フロスフェルト, フランクリン・ヘラルドウス
オランダ国, エヌエル 3000 ディーアール ロッテルダム, ピー・オー・ボックス 173
8, エラスムス・ユニヴァーシティ・メディカル・センター・ロッテルダム, デパートメント・オ
ヴ・セル・バイオロジー・アンド・ジェネティクス
- (72)発明者 ヤンセンス, リハルト・ウィルヘルム
オランダ国, エヌエル 3000 ディーアール ロッテルダム, ピー・オー・ボックス 173
8, エラスムス・ユニヴァーシティ・メディカル・センター・ロッテルダム, デパートメント・オ
ヴ・セル・バイオロジー・アンド・ジェネティクス
- (72)発明者 ドラベク, ドゥブラヴカ
オランダ国, エヌエル 3000 ディーアール ロッテルダム, ピー・オー・ボックス 173
8, エラスムス・ユニヴァーシティ・メディカル・センター・ロッテルダム, デパートメント・オ
ヴ・セル・バイオロジー・アンド・ジェネティクス

F ターム(参考) 4B024 AA01 AA20 BA41 CA02 CA07 DA02 EA04 GA30 HA01
4B064 AG27 CA10 CA19 CC24 DA03
4B065 AA90X AA90Y AB01 AC14 BA02 CA25 CA44
4C085 AA13 AA14 AA19 BB31 CC04 DD88 EE01
4H045 AA11 AA20 AA30 BA41 CA40 DA76 EA22 FA74