

【公報種別】特許法第 17 条の 2 の規定による補正の掲載

【部門区分】第 1 部門第 1 区分

【発行日】平成25年8月15日 (2013.8.15)

【公表番号】特表2013-500713(P2013-500713A)

【公表日】平成25年1月10日 (2013.1.10)

【年通号数】公開・登録公報2013-002

【出願番号】特願2012-522282(P2012-522282)

【国際特許分類】

C 1 2 Q 1/68 (2006.01)

A 6 1 P 31/14 (2006.01)

A 6 1 P 31/16 (2006.01)

A 6 1 K 45/00 (2006.01)

A 6 1 K 38/21 (2006.01)

A 6 1 P 31/18 (2006.01)

A 6 1 K 31/7056 (2006.01)

C 1 2 N 15/09 (2006.01)

【F I】

C 1 2 Q 1/68 Z

C 1 2 Q 1/68 Z N A A

A 6 1 P 31/14

A 6 1 P 31/16

A 6 1 K 45/00

A 6 1 K 37/66

A 6 1 P 31/18

A 6 1 K 31/7056

C 1 2 N 15/00 A

【手続補正書】

【提出日】平成25年6月26日 (2013.6.26)

【手続補正 1】

【補正対象書類名】特許請求の範囲

【補正対象項目名】全文

【補正方法】変更

【補正の内容】

【特許請求の範囲】

【請求項 1】

C 型肝炎に感染した被験体における非自発的 C 型肝炎除去に対する感受性を判定する方法であって、前記被験体から得られた生体サンプルから単離した核酸サンプル中の I L 2 8 B / A 遺伝子座及び / 又は I L - 2 9 遺伝子座における少なくとも 1 つの多型マーカの有無を判定することを含み、

前記少なくとも 1 つの多型マーカが r s 1 1 8 7 9 0 0 5、r s 1 2 9 7 5 7 9 9、r s 1 1 0 8 3 5 1 9、r s 9 5 5 1 5 5、r s 1 2 9 7 2 9 9 1、r s 1 2 9 8 0 2 7 5、r s 8 1 0 5 7 9 0、r s 1 1 8 8 1 2 2 2、r s 1 0 8 5 3 7 2 7、r s 8 1 0 9 8 8 6、r s 8 1 1 3 0 0 7、r s 8 0 9 9 9 1 7、r s 7 2 4 8 6 6 8、r s 1 6 9 7 3 2 8 5、r s 1 0 8 5 3 7 2 8、r s 4 8 0 3 2 2 3、r s 1 2 9 8 0 6 0 2、r s 4 8 0 3 2 2 4、r s 6 6 4 8 9 3、r s 5 7 6 8 3 2、r s 1 1 6 7 1 0 8 7、r s 2 5 1 9 1 0、r s 7 3 5 9 9 5 3、r s 7 3 5 9 9 5 0、r s 2 0 9 9 3 3 1、r s 1 1 6 6 5 8 1 8、r s 5 7 0 8 8 0、r s 5 0 3 3 5 5、r s 3 0 4 6 1、r s 1 9 4 0 1 4、r s 2 5 1 9 0 3、r s 1 2 9 7 9 1 7 5、r s 3 9 5 8 7、r s 3 0 4 8 0 を含む群

から選択される少なくとも1つのSNPと関連する多型性部位である、C型肝炎に感染した被験体における非自発的C型肝炎除去に対する感受性を判定する方法。

【請求項2】

前記少なくとも1つの多型マーカーが、配列番号1～配列番号34を含む群から選択される配列から本質的になる核酸セグメント中に位置する、請求項1に記載の方法。

【請求項3】

前記少なくとも1つの多型マーカーが、請求項1に定義された群から選択される少なくとも1つのSNPと完全な又は強い連鎖不均衡にある多型性部位である、請求項1に記載の方法。

【請求項4】

前記多型マーカーが、請求項1に定義された群から選択される少なくとも2つのSNPの組み合わせである、請求項1又は2に記載の方法。

【請求項5】

前記多型マーカーがrs8099917のG/T、rs8099917のG/G、rs576832のC/G、rs576832のC/C、rs12980275のG/A、rs12980275のG/G、rs11881222のG/A、rs11881222のG/G、rs8113007のT/A、rs8113007のT/T、rs7248668のA/G、rs7248668のA/A、rs8105790のC/T、rs8105790のC/C、rs12972991のC/A、rs12972991のC/C、rs4803223のG/A、rs4803223のG/G、rs8109886のA/C、rs8109886のA/A、rs955155のA/G、およびrs955155のA/Aを含む群から選択され、前記被験体の非自発的C型肝炎除去に対する感受性が増大していることの指標とされる、請求項1又は2に記載の方法。

【請求項6】

前記慢性C型肝炎がHCVのウイルス遺伝子型1、2、3又は4によって引き起こされたものである、請求項1～5のいずれか一項に記載の方法。

【請求項7】

前記被験体から得られた生体サンプルから単離した核酸サンプルにおいてHCVウイルス遺伝子型を判定することを更に含む、請求項1～6のいずれか一項に記載の方法。

【請求項8】

前記被験体がHIVに同時感染している、請求項1～7のいずれか一項に記載の方法。

【請求項9】

C型肝炎に感染した被験体において、請求項1～8のいずれか一項に記載の方法に従って非自発的C型肝炎除去に対する感受性を判定するためのキットであって、

i) 前記被験体から得られた生体サンプルから単離した核酸サンプル中のIL28B/A遺伝子座及び/又はIL-29遺伝子座における少なくとも1つの多型マーカーの有無を選択的に検出するための試薬と、

ii) 使用説明書と、

を含む、C型肝炎に感染した被験体において、請求項1～8のいずれか一項に記載の方法に従って非自発的C型肝炎除去に対する感受性を判定するためのキット。

【請求項10】

前記試薬が前記ウイルス遺伝子型の検出を対象とする別のプライマー、プライマーセット又はプライマーアレイを更に含む、請求項9に記載のキット。

【請求項11】

前記被験体がHIVに同時感染している、請求項9又は10に記載のキット。