

【公報種別】特許法第 17 条の 2 の規定による補正の掲載

【部門区分】第 6 部門第 3 区分

【発行日】平成 23 年 10 月 13 日 (2011.10.13)

【公開番号】特開 2009-80811 (P2009-80811A)

【公開日】平成 21 年 4 月 16 日 (2009.4.16)

【年通号数】公開・登録公報 2009-015

【出願番号】特願 2008-242813 (P2008-242813)

【国際特許分類】

G 0 6 F 19/00 (2011.01)

C 1 2 M 1/00 (2006.01)

C 1 2 N 15/09 (2006.01)

【F I】

G 0 6 F 19/00 6 0 0

C 1 2 M 1/00 A

C 1 2 N 15/00 A

【手続補正書】

【提出日】平成 23 年 8 月 31 日 (2011.8.31)

【手続補正 1】

【補正対象書類名】特許請求の範囲

【補正対象項目名】全文

【補正方法】変更

【補正の内容】

【特許請求の範囲】

【請求項 1】

増殖プロセスについてのデータが、有意な増殖を示すかを決定する方法であって、当該方法が以下の：

増殖プロセスを示すデータセットを受容し、ここで当該データセットは複数のデータポイントを含み各データポイントが座標値の対を有し；

上記データセットにフィットする曲線を計算し、ここで当該曲線は一次又は二次多項式のうちのひとつを含み；

上記曲線について統計的に有意な値を決定し；

上記有意な値が閾値を超えるかを決定し；

閾値を超えない場合、上記データセットをさらに処理し；そして

閾値を超える場合、上記データセットが有意な増殖を有しないと示すか、及び／又は当該データセットを破棄する

を含む、前記方法。

【請求項 2】

前記統計的に有意な値が、 R^2 値であり、そしてここで前記閾値が約 0.90 以上である、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 3】

前記増殖プロセスが、ポリメラーゼ連鎖反応 (PCR) プロセスである、請求項 1 又は 2 に記載の方法。

【請求項 4】

前記データセットを処理することが、PCR データセットのサイクル閾値 (C_t) を決定することをさらに含む、請求項 3 に記載の方法。

【請求項 5】

前記 C_t 値の決定が、以下の：

Levenberg-Marquardt (LM) 回帰プロセスをダブルシグモイド

関数に適用して当該関数のパラメータを決定することにより、前記データセットにフィットする曲線の近似を計算し；

上記決定されたパラメータを用いて曲線を正規化して、正規化された曲線をもたらす；そして

上記正規化された曲線进行处理して、最大曲率の点を決定し、ここで当該最大曲率の点が、PCR曲線のCt値を表す

を含む、請求項4に記載の方法。

【請求項6】

前記データセットにフィットする曲線を計算する前に、当該データセットを正規化することをさらに含む、請求項1～5のいずれか一項に記載の方法。

【請求項7】

増殖プロセスについてのデータが、有意な増殖を示すかを決定するためにプロセッサを制御するコードを含むコンピューターが読み取り可能な媒体であって、当該コードが以下の指令：

増殖プロセスを示すデータセットを受容し、当該データセットは複数のデータポイントを含み、各データポイントが、座標値の対を有し；

上記データセットにフィットする曲線を計算し、当該曲線は、1次又は2次多項式を含み；

上記曲線について統計的に有意な値を決定し；

上記有意な値が閾値を超えるかを決定し；そして

閾値を超えない場合、上記データセットをさらに処理し；そして

閾値を超える場合、上記データセットが有意な増殖を有さないということを示すか及び/又は当該データセットを破棄する

を含む、前記媒体。

【請求項8】

動的ポリメラーゼ連鎖反応(PCR)システムであって、以下の：

動的PCR増幅曲線を表すPCRデータセットを作成する動的PCR分析モジュール、ここで当該データセットは、複数のデータポイントを含み、各々は座標値の対を有し；及び

以下の：

上記PCRデータセットにフィットする曲線を計算し、ここで当該曲線が一次又は二次多項式のうちの1つを含み、

上記曲線について統計的に有意な値を決定し；

上記値が閾値を超えるかを決定し；そして

閾値を超えない場合、上記PCRデータセットをさらに処理し；そして

閾値を超える場合、上記PCRデータセットが有意な増殖を有さないということを示すか、及び/又は当該PCRデータセットを破棄する

ことにより、PCRデータセット进行处理して、PCRデータセットが有意な増殖を示すかを決定するように適用されたインテリジェンス・モジュール

を含む、動的ポリメラーゼ連鎖反応(PCR)システム。

【請求項9】

前記統計的に有意な値が、 R^2 値であり、そして前記閾値が約0.9以上である、請求項8に記載のPCRシステム。

【請求項10】

前記データセットが、PCRデータセットのサイクル閾値(Ct)値を決定することをさらに含む、請求項8に記載のPCRシステム。

【請求項11】

前記Ct値の決定が、以下の：

Levenberg-Marquardt(LM)回帰プロセスを適用することによりデータセットをダブルシグモイド関数にフィットさせて、当該関数のパラメータを決定

する曲線の近似を計算し；

上記決定されたパラメーターを用いて曲線を正規化して、正規化曲線をもたらし；
そして

上記正規化された曲線进行处理して、最大曲率の点を決定し、ここで最大曲率の点が、PCR曲線のCt値を表す
を含む、請求項10に記載のPCRシステム。