

(19) 日本国特許庁(JP)

(12) 公表特許公報(A)

(11) 特許出願公表番号

特表2010-502177

(P2010-502177A)

(43) 公表日 平成22年1月28日(2010.1.28)

(51) Int.Cl.	F 1	テーマコード (参考)
C 12Q 1/68 (2006.01)	C 12Q 1/68	A 4 B 0 2 4
G 01N 33/53 (2006.01)	G 01N 33/53	D 4 B 0 6 3
G 01N 37/00 (2006.01)	G 01N 33/53	M
C 12Q 1/02 (2006.01)	G 01N 37/00	1 O 2
C 12N 15/09 (2006.01)	C 12Q 1/02	

審査請求 未請求 予備審査請求 未請求 (全 169 頁) 最終頁に続く

(21) 出願番号	特願2009-526164 (P2009-526164)	(71) 出願人	507239514 リノーヴォ リミテッド イギリス エム13 9エックスエックス マンチェスター グラフトン ストリー ト 48 マンチェスター インキュベイ ター ビルディング
(86) (22) 出願日	平成19年8月28日 (2007.8.28)	(74) 代理人	100082005 弁理士 熊倉 賢男
(85) 翻訳文提出日	平成21年4月27日 (2009.4.27)	(74) 代理人	100084009 弁理士 小川 信夫
(86) 國際出願番号	PCT/GB2007/003221	(74) 代理人	100084663 弁理士 箱田 篤
(87) 國際公開番号	W02008/025961	(74) 代理人	100093300 弁理士 浅井 賢治
(87) 國際公開日	平成20年3月6日 (2008.3.6)		
(31) 優先権主張番号	0617116.9		
(32) 優先日	平成18年8月31日 (2006.8.31)		
(33) 優先権主張国	英國 (GB)		

最終頁に続く

(54) 【発明の名称】診断方法

(57) 【要約】

対象とする瘢痕が本来はケロイドであるかケロイドではないかを決定するのに使用する方法、キットおよびアレイが提供される。対象とする瘢痕における遺伝子発現と対照試料における発現の比較に基づいて、これらにより、ケロイドの性質またはケロイドではない性質が決定される。対象とする瘢痕における遺伝子発現を代表する試料における表1に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現が、対照試料における同じ遺伝子(単数または複数)の発現と比較して低下している場合、このことは対象とする瘢痕がケロイドを含むことを示している。

【選択図】なし

【特許請求の範囲】**【請求項 1】**

対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断する方法において、対象とする瘢痕における遺伝子発現を代表する試料における、表1に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現と、コンパレータ組織における、前記少なくとも1つの遺伝子の発現とを比較することを含む前記方法であって、コンパレータ組織における前記少なくとも1つの遺伝子の発現と比較して、対象とする瘢痕における前記少なくとも1つの遺伝子の発現が低下していることが、対象とする瘢痕がケロイドを含むことを示す前記方法。

【請求項 2】

方法が *in vitro* 法である、請求項1記載の方法。

【請求項 3】

表2に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を比較することを含む、請求項1または請求項2記載の方法。

【請求項 4】

表3に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を比較することを含む、請求項1~3のいずれか1つに記載の方法。

【請求項 5】

表8に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を比較することを含む、請求項1~4のいずれか1つに記載の方法。

【請求項 6】

表13に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を比較することを含む、請求項1~5のいずれか1つに記載の方法。

【請求項 7】

表17に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を比較することを含む、請求項1~6のいずれか1つに記載の方法。

【請求項 8】

表20に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を比較することを含む、請求項1~7のいずれか1つに記載の方法。

【請求項 9】

表21に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を比較することを含む、請求項1~8のいずれか1つに記載の方法。

【請求項 10】

表22に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を比較することを含む、請求項1~9のいずれか1つに記載の方法。

【請求項 11】

表24に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を比較することを含む、請求項1~10のいずれか1つに記載の方法。

【請求項 12】

表26に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を比較することを含む、請求項1~11のいずれか1つに記載の方法。

【請求項 13】

対象とする瘢痕における遺伝子発現を代表する試料が標的核酸分子を含む、請求項1~12のいずれか1つに記載の方法。

【請求項 14】

標的核酸分子がRNAオリゴヌクレオチドを含む、請求項13記載の方法。

【請求項 15】

標的核酸分子がDNAオリゴヌクレオチドを含む、請求項13記載の方法。

【請求項 16】

対象とする瘢痕における遺伝子発現を代表する試料が標的タンパク質分子を含む、請求

10

20

30

40

50

項1～12のいずれか1つに記載の方法。

【請求項17】

標的分子に特異的に結合できるプローブ分子を用いて遺伝子発現の比較が行われる、請求項13～16のいずれかに記載の方法。

【請求項18】

オリゴヌクレオチドプローブ、抗体およびアプタマーを含む群からプローブ分子が選択される、請求項17記載の方法。

【請求項19】

少なくとも5遺伝子について試料における発現とコンパレータ組織における発現とが比較される、請求項1～18のいずれか1つに記載の方法。

【請求項20】

5～10遺伝子について試料における発現とコンパレータ組織における発現とが比較される、請求項1～19のいずれか1つに記載の方法。

【請求項21】

対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断するためのキットであつて、

i)対象とする瘢痕における、表1に示す群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に特異的に結合できる少なくとも1つのプローブ;および

ii)コンパレータ組織における前記少なくとも1つの遺伝子の発現レベルを示すことができる標準物質

を含む前記キット。

【請求項22】

プローブがオリゴヌクレオチドプローブを含む、請求項21記載のキット。

【請求項23】

プローブが抗体を含む、請求項21記載のキット。

【請求項24】

プローブがアプタマーを含む、請求項21記載のキット。

【請求項25】

プローブが標識プローブである、請求項21～24のいずれかに記載のキット。

【請求項26】

プローブが蛍光標識プローブである、請求項25記載のキット。

【請求項27】

プローブが酵素標識プローブである、請求項25記載のキット。

【請求項28】

プローブが放射性標識プローブである、請求項25記載のキット。

【請求項29】

表1に示す群から選択される少なくとも5遺伝子の発現を代表する標的分子に特異的に結合できるプローブを含む、請求項21～28のいずれか1つに記載のキット。

【請求項30】

表1に示す群から選択される5～10遺伝子の発現を代表する標的分子に特異的に結合できるプローブを含む、請求項21～29のいずれか1つに記載のキット。

【請求項31】

表2に示す遺伝子;および/または表3に示す遺伝子;および/または表8に示す遺伝子;および/または表13に示す遺伝子;および/または表17に示す遺伝子および/または表20に示す遺伝子;および/または表21に示す遺伝子;および/または表22に示す遺伝子;および/または表24に示す遺伝子;および/または表26に示す遺伝子から選択される少なくとも1つの遺伝子の遺伝子発現を代表する標的分子に特異的に結合できるプローブをキットが含む、請求項21～30のいずれか1つに記載のキット。

【請求項32】

表1に示す遺伝子群から選択される前記少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的核

10

20

30

40

50

酸のライブラリーを標準物質が含む、請求項21～30のいずれか1つに記載のキット。

【請求項 3 3】

表1に示す遺伝子群から選択される前記少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的タンパク質のライブラリーを標準物質が含む、請求項21～31のいずれか1つに記載のキット。

【請求項 3 4】

表1に示す遺伝子群から選択される前記少なくとも1つの遺伝子の発現に関するデータを標準物質が含む、請求項21～33のいずれか1つに記載のキット。

【請求項 3 5】

診断アルゴリズムをさらに含む、請求項21～34のいずれか1つに記載のキット。

10

【請求項 3 6】

アッセイが正しく行われたことを示すことができるアッセイ対照をさらに含む、請求項21～35のいずれか1つに記載のキット。

【請求項 3 7】

対象とする瘢痕における遺伝子発現を代表する標的分子の集団の製造原料をさらに含む、請求項21～36のいずれか1つに記載のキット。

【請求項 3 8】

アレイに存在するオリゴヌクレオチドプローブの少なくとも7.0%が表1に示す遺伝子群から選択されることを特徴とするオリゴヌクレオチドプローブアレイ。

20

【請求項 3 9】

表1に示す遺伝子群から選択される遺伝子を代表する核酸プローブが付着したナイロン支持体を含むアレイ。

【請求項 4 0】

表1に示す遺伝子群の1以上の発現を代表する分子に特異的に結合できる固定化抗体プローブを含むアレイ。

【請求項 4 1】

表2に示す遺伝子; および/または表3に示す遺伝子; および/または表8に示す遺伝子; および/または表13に示す遺伝子; および/または表17に示す遺伝子および/または表20に示す遺伝子; および/または表21に示す遺伝子; および/または表22に示す遺伝子; および/または表24に示す遺伝子; および/または表26に示す遺伝子から選択される少なくとも1つの遺伝子の遺伝子発現を代表する標的分子に特異的に結合できるプローブをアレイが含む、請求項38～40のいずれか1つに記載のアレイ。

30

【発明の詳細な説明】

【技術分野】

【0 0 0 1】

本発明は、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断する方法に関する。本発明はまた、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかの診断に使用するのに適したキットおよびオリゴヌクレオチドアレイも提供する。

【背景技術】

【0 0 0 2】

ケロイド(ケロイド瘢痕とも呼ばれる)は、異常で過形成性の創傷治癒反応により生じる病的瘢痕である。ケロイドは、元の創傷の端部を超えて広がり、創傷部位を囲んでいる正常皮膚を侵す盛り上がった瘢痕を含む。ケロイドは長い期間をかけて増殖を続け、自発的に退行することはない。

【0 0 0 3】

ケロイドは男女に等しい頻度で生じる。ケロイド形成の罹患率は、10歳から30歳の間の男女において増加している。ケロイドは、ピアッシング、外科手術、ワクチン接種、入れ墨、咬創、鈍的外傷および熱傷を含む広範囲の損傷の結果として生じる恐れがある。

【0 0 0 4】

ケロイドは、“ドーム型”、結節型または隆起型の外観をとりうる。ケロイドは、負傷

40

50

していない周囲の皮膚の色と同様な色を有する場合もあるが、多くは赤、紫または茶色の外観を有し少し黒ずんだ色をしている。このような色のミスマッチにより、ケロイドの視覚的突出が強められる恐れがある。ケロイドにおける色素増加症の傾向は、太陽の紫外線照射への暴露によって強められる。

【0005】

ケロイド病変は、それぞれが互いにきわめて異なる生物活性を示しうる多くの異なる部分から構成されているとみなすことができる。成熟ケロイド病変の中央部(病変内部分)は主として無細胞性であるのに対し、病変の周辺部(病変周囲部分)は比較的より細胞性であり、血管新生活性が上昇している部位である。新生血管形成の増加は、病変の外側への増殖と関連づけられてきた。

10

【0006】

ケロイドは病的瘢痕の例を代表するものであるが、ケロイドは、主として無傷の皮膚および正常皮膚瘢痕において見出されるものと同じ細胞型および細胞外マトリックス成分から構成されている。しかしながら、これらの細胞型および細胞外マトリックス成分の相対的な存在量および配置は、負傷していない皮膚または正常皮膚瘢痕のいずれにおいて見出されるものとも異なっている。

【0007】

ケロイドの主要成分は細胞外マトリックス成分であるI型コラーゲンである。ケロイド由来の線維芽細胞は、正常皮膚線維芽細胞と比較して、*in vitro*で最大20倍高いI型コラーゲンの発現を示す。同様に、培養ケロイド線維芽細胞は、エラスチンおよびプロテオグリカンを上昇したレベルで発現し、このような細胞外マトリックス沈着の増加がケロイドの発生および維持に役割を果たしうると考えられる。

20

【0008】

ケロイド内に存在するI型コラーゲンは、主として厚い“渦状紋”の形で配置されているが、負傷していない皮膚(いわゆる細纖維の“バスケット織り”)および正常瘢痕(ケロイドで見られるものよりも細いコラーゲン線維を含有し、互いにおおよそ平行に配置されている)に見られる配置とは識別することができる。ケロイド内に多く存在する肥厚性のヒアリン化コラーゲンにより、“ケロイドコラーゲン”と呼ばれるこの形態のコラーゲンが生じた。

30

【0009】

ケロイドは、正常瘢痕と比較してマクロファージを少なく含むが、好酸球、マスト細胞、血漿細胞およびリンパ球を多く含む。

【0010】

ケロイドは、疼痛の原因となることはあまりないが、その形成または増殖中に不快、圧痛、刺激または痒みを引き起こす恐れがある。ケロイドはまた、負傷していない皮膚と比較して、そのサイズにより、あるいはその増加した剛性により機械的機能を損ねる恐れもある。関節の近くにあるケロイドの場合は、特に著しいものとなる恐れがある。さらにまた、ケロイド、特に、大きいかまたは著しく美観を損ねる例では、これらに悩まされる人に心理的苦痛を引き起こす場合があることはよく知られている。

40

【0011】

ケロイドのさらに非常に有害な特質は、特に外科的切除後におけるそれらの再発傾向である。このような状況下でのケロイドの再発は、通常、病変のさらなる拡大を伴い、以前の切除に続いてケロイドはさらに激しく拡大する場合がある。

【0012】

外科的切除が許容され、しばしばより好ましいアプローチであることを除いては、肥厚性瘢痕の治療オプションはケロイドの治療オプションと類似している。

【0013】

ケロイドの場合は、一般に、可能であれば外科的介入を避けることが好ましいことは明らかであろう。高い再発率と、外科的介入によりその再発に悪影響を及ぼすこととを考慮すれば、適切な療法を用いるためにはケロイドを正確に診断することが重要である。現

50

行のケロイドの療法は、コルチコステロイド注射、凍結療法、放射線治療、シリコーンゲル包帯法およびケロイド瘢痕のサイズを減少させるための薬剤の病変内注射を含む。

【0014】

現行の医療においては、瘢痕の外観に基づいてケロイドの診断がなされる。しかしながら、ケロイドの形態は他の病的瘢痕の形態と大変類似しているという事実によりケロイドの正確な診断が妨げられる。ケロイドの外観と肥厚性瘢痕の外観は特に類似している場合がある。肥厚性瘢痕は、それらが皮膚面の上に同様に盛り上がっているという点でケロイド瘢痕と類似している。しかしながら、元の病変の境界内にとどまり最初の損傷の数カ月後に自発的に退行しうる点で肥厚性瘢痕はケロイドとは異なる。ケロイドと肥厚性瘢痕とが視覚的に類似しているということは、これら2つの異なる状態間の盛り上がった瘢痕の診断がしばしば紛らわしく、長期モニタリングなしには正確な診断はできないことを意味している。対象とする瘢痕を診断して、それらが本来はケロイドであるのかあるいはそれらが他の病的または過度の瘢痕型、例えば肥厚性瘢痕に属するのかを示すことができる迅速で正確な手段が求められている。

10

【0015】

盛り上がった瘢痕は、ケロイド疾患を伴っていると推定されがちであり、黒人患者の場合は、隆起した瘢痕は、多くの医師によりデフォルトでケロイドと診断されがちである(Rosenborough et al, 2004. J.Natl.Med.Assoc. 96, 108)。この傾向は、ケロイドではない瘢痕(たとえば肥厚性瘢痕または大変ひどい非病的瘢痕)をケロイドであるとする誤認の原因となりうる。このような潜在的誤診は、不適切な瘢痕治療方針の決定につながる恐れがあり、このような誤診された瘢痕の場合は、見込みのある治療的アプローチとしての選択的/瘢痕再置換術の使用を妨げかねないことは明らかであろう。

20

【0016】

上で述べたように、ケロイドは元の損傷の境界を越えて増殖する唯一の病的皮膚瘢痕であることが知られている。この性質は、ケロイドと肥厚性瘢痕の間の鑑別診断を行う根拠を提供しうるものであるが、診断される瘢痕の長期観察の必要性がある場合は、この診断は大変長い時間を必要とする。

20

【0017】

組織がケロイドであるかケロイドではないかを診断する他の試みには、組織学的評価を用いたものがある。ケロイド診断の適切な根拠を提供するとして示唆されている組織学的特徴には、肥厚性のヒアリン化されたコラーゲンであるいわゆる“ケロイドコラーゲン”があるが、これはすべてのケロイド試料において見られるわけではない。ケロイドを他の病的瘢痕(たとえば肥厚性瘢痕)と識別することを可能にするさらなる特徴には、非線維性真皮乳頭層である、ケロイドにおける非扁平表皮の存在、ケロイド病変を取り囲む“舌状”前縁の存在(正常な外見の表皮および真皮乳頭層の皮下に位置する)、真皮網状層上部に位置する水平細胞線維性索状物の存在および顕著な筋膜様策状物の存在がある。

30

【0018】

しかしながら、ケロイド診断のためのこれらの組織学的手掛かりもまた不十分である。診断マーカーとして示唆された特徴のすべてがすべてのケロイド組織に見いだされるわけではなく、同様に、示唆されたマーカーにはケロイドではない組織に見いだされるものもある。

40

【0019】

さらにまた、ケロイド診断のための組織学的手段の使用には、組織学的試料の調製および分析に消費されるかなりの時間を必要とするばかりでなく、このような分析を実施する人間の側にも技術および判断力の傾注を必要とする。

【0020】

ケロイド瘢痕の診断のための迅速で正確な方法およびキットにより、より信頼性の高い診断を行うことが可能となる。このことにより、皮膚病変の臨床治療に関する正しい決定を行うことが容易となり、ケロイドおよびケロイドではない病変の両方の治療に有利となる。ケロイドと診断された組織の場合において、そうでなければケロイドの再発および拡

50

大を悪化させる治療を避けることが可能となる一方で、ケロイドではない組織の治療において、このような考察が不適切に適用されることはない。さらにまた、早期の正確な診断は緩和ケア療法の成功に関して大きな利点を有すると推定される。なぜなら、多くの利用可能な治療は成熟度の低い瘢痕に対してより有効であると考えられるからである。

【0021】

このように、ケロイドを形成する患者とケロイドを形成しない患者とを識別する能力は、ケロイドを発生する傾向のある患者に、外科手術の制限、従ってケロイド形成のリスクの制限に関して大きな利点を提供することができる。なぜなら、ケロイド形成の予防はケロイドを形成する患者の管理において極めて重要であり、これらの個体には必須ではない美容整形を避けることが推奨されると一般に考えられるからである。

10

【0022】

上記を考慮すれば、ケロイドの診断のための新規な代替法およびキットの提供が必要であることが十分認識されることは明らかであろう。このような方法およびキットは、好ましくは、安全で信頼性のある、ケロイド診断に適したものであることができる。

【発明の概要】

【0023】

ケロイド診断のための新規方法およびマーカーを提供することは、本発明の特定の実施形態の目的である。対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかの診断において、先行技術が達成したものよりもより大きな確実性を可能にする診断方法を提供することは、本発明の特定の実施形態の他の目的である。対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを決定するための、先行技術の方法よりもより優れた診断速度を可能にする診断方法を提供することは、本発明の特定の実施形態の他の目的である。診断を実施するために大きな生検材料を採取する必要のない、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断するための方法を提供することは、本発明の特定の実施形態のさらに他の目的である。ケロイド形成の再発および/または悪化の原因となると考えられる手順を含まない、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断することを可能にする方法を提供することは、本発明の特定の実施形態のさらに他の目的である。

20

【0024】

本発明の第1の側面によれば、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断する方法において、対象とする瘢痕における遺伝子発現を代表する試料における、表1に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現と、コンパレータ(comparator)組織における、前記少なくとも1つの遺伝子の発現とを比較することを含む前記方法であって、コンパレータ組織における前記少なくとも1つの遺伝子の発現と比較して、対象とする瘢痕における前記少なくとも1つの遺伝子の発現が低下していることが、対象とする瘢痕がケロイドを含むことを示す前記方法が提供される。

30

【0025】

本発明の第2の側面において、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断するためのキットであって、

i) 対象とする瘢痕における、表1に示す群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に特異的に結合できる少なくとも1つのプローブ; および

ii) コンパレータ組織における前記少なくとも1つの遺伝子の発現レベルを示すことができる標準物質

40

を含む前記キットが提供される。

【0026】

本発明の方法およびキットは、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかの *in vitro* 診断のために用いられることが好ましい。

【0027】

本発明の方法およびキットは、ヒト瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかの診断に使用するのに最も適しているが、本発明の方法およびキットはまた、非ヒト動物における同様な状態、たとえばウマにおける“肉芽組織”的診断に有用であることもできる。

50

【0028】

本発明は、その発現が低下していることがケロイド組織の特徴である多数の遺伝子の本発明者による同定に基づく。対象とする瘢痕におけるこれらの遺伝子の1以上の発現とコンパレータ組織において生じる発現との比較が、組織がケロイドであるかケロイドではないかに関する正確で迅速な診断を可能にすることを本発明者は見出した。コンパレータ組織サンプルにおける発現と比較して遺伝子発現が低下していることにより対象とする瘢痕がケロイドと一致することが示されるが、コンパレータと比較して対象とする瘢痕における発現が変わらないまたは上昇していることは、対象とする瘢痕がケロイドではない組織であることを示している。

【0029】

10

表1に見られる遺伝子(すなわち遺伝子番号1～遺伝子番号590を含む群)の発現が低下していることが、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断するために使用できるという所見は驚くべきである。なぜなら、特定の遺伝子の発現(たとえばVEGF、IGF1およびPAI1をコードする遺伝子の発現)はケロイド組織に関連づけられているが、表1に示す遺伝子は、ケロイド瘢痕の特徴としては言うまでもなく、ケロイドに関連していることは今までに同定されていないからである。

【0030】

20

本発明の実施において(本発明の方法、キットまたはアレイのいずれを使用しても)、対象とする瘢痕における遺伝子発現を代表する試料における選択された遺伝子(単数または複数)の発現は適切なコンパレータ組織における同じ遺伝子(単数または複数)の発現と比較される。このような選択された遺伝子(単数または複数)の発現の比較により、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断することが可能となる。もしコンパレータ試料における場合と比較して対象とする瘢痕における遺伝子発現を代表する試料における選択された遺伝子(単数または複数)の発現が低下していれば、それは対象とする瘢痕がケロイド組織を含むことを示す。他方では、もし対象とする瘢痕における発現を代表する試料において選択された遺伝子(単数または複数)の発現の低下がみられなければ(あるいは、むしろこれらの遺伝子の発現の上昇が見られれば)、それは対象とする瘢痕がケロイド組織を含まないことを示す。

【0031】

30

一般に、対象とする瘢痕における選択された遺伝子の発現は、遺伝子発現を代表する標的分子の分析により調査される。適切な調査は、試料中のこのような標的分子の存否の分析(明細書の他の部分でさらに説明する遺伝子発現の定性分析)または試料中の標的分子の相対存在量の分析(明細書の他の部分でさらに詳細に考察されるように、遺伝子発現に関する定性的情報を提供することができる)を含むことができる。

【0032】

40

コンパレータ組織における遺伝子発現は、適切な標的分子を含む組織または組織抽出物により示すこともでき、あるいはコンパレータ中の遺伝子発現レベルの詳細を提示するデータにより示すこともできる。適切な標的分子の同定、単離および分析は、コンパレータ組織サンプルにおける情報の提供として明細書の他の部分でさらに詳しく説明する。

【0033】

本開示のためのコンパレータ組織は、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断することを可能にするための、対象とする瘢痕における遺伝子発現を比較することができる組織である。特に、表1に示す少なくとも1つの遺伝子の、対象とする瘢痕における発現は、コンパレータ組織における同じ遺伝子(単数または複数)の発現と比較される。

【0034】

50

本発明記載の使用のために、適切なコンパレータ組織として、多くの異なる組織型を用いることができる。適切なコンパレータ組織は正常皮膚を含む。本目的のために、正常皮膚はケロイド瘢痕以外に存在する皮膚と考えることができ、好ましくは、瘢痕のない負傷していない皮膚と考えることができる。

【0035】

あるいは、本発明に使用するのに適したコンパレータ組織は、既知のケロイド由来の組織であることができる。例えば本発明による使用のための適切なコンパレータ組織は、既知のケロイドに隣接した皮膚由来の組織(本明細書においては、“ケロイド外(extra-keloid)コンパレータ組織”とも呼ぶ)を含むことができる。また、適切なコンパレータ組織は、既知のケロイドの周辺部位由来の組織(本明細書においては、“ケロイド周囲(peri-keloid)コンパレータ組織”とも呼ぶ)を含むことができる。さらなる代替物において、適切なコンパレータ組織は既知のケロイドの内部由来の組織(ケロイド内(intra-keloid)コンパレータ組織”とも呼ぶ)を含むことができる。

【0036】

10

本発明においては、“コンパレータ試料”は、コンパレータ試料が由来するコンパレータ組織における選択された遺伝子の発現に関する情報を提供する任意の試料(例えば、本明細書において他の部分で考察する組織抽出物など)を含む。

【0037】

本発明に従って、表1に示す遺伝子群により示される任意の遺伝子を使用することができるが、これらの遺伝子の特定のサブセットが特別な診断的価値を有することを本発明者はさらに見出した。これらのサブセットを下記に示しさらに詳細に考察する。

【0038】

20

本発明者は、表1に示す特定の遺伝子の発現がケロイド病変の異なる部位の間で変化することに注目した。本発明による診断(本発明の方法、キットまたはアレイのいずれを用いても)をさらに改善するためにこの情報を使用できる。

【0039】

本発明者はまた、本発明の方法およびキットで調査することができる好ましい遺伝子は、それらの生物学的機能を参照して選択することができる見出した。

【0040】

30

対象とする診断される瘢痕を代表する対象とする試料は、試料が由来する瘢痕中の位置を参照してさらに特徴づけることができる。この根拠に基づいた対象とする試料の特徴づけにより、本発明により行われる診断の有効性が改善されることを本発明者は見出した。対象とする試料は、病変周囲(つまり、対象とする瘢痕を含む病変の周辺から採取した試料)および病変内(対象とする瘢痕を含む病変の内部から採取した試料)として特徴づけることができる。

【0041】

対象とする病変周囲試料の診断に用いることができる表1からの遺伝子を表2に示す。表2に示す遺伝子の1以上の比較に基づいて本発明による診断(本発明の方法、キットまたはアレイのいずれを用いても)を行うことは好ましい実施形態である。

【0042】

40

対象とする病変内試料の診断に用いることができる表1からの遺伝子を表20に示す。表20に示す遺伝子の1以上の比較に基づいて本発明による診断(本発明の方法、キットまたはアレイのいずれを用いても)を行うことは好ましい実施形態である。

【0043】

上記のように、本発明による診断に使用するのに適したコンパレータ組織は、それらの供給元を参照して正常皮膚コンパレータ;ケロイド外コンパレータ;ケロイド周囲コンパレータ;またはケロイド内コンパレータと特徴づけることもできる。対象とする瘢痕におけるそれらの位置を参照して特徴づけられる対象とする試料における遺伝子発現と上記のように特徴づけられるコンパレータの遺伝子発現とを比較することにより、本発明による診断を改善することを本発明者は見出した。

【0044】

従って、対象とする病変周囲試料における遺伝子発現と正常皮膚コンパレータにおける遺伝子発現とを比較することが好ましい場合がある。診断を提供するためにこのような試料間で発現を比較することができる適切な遺伝子の例を表3に示す。これらの遺伝子を、

50

それらの生物学的機能を参照してさらに特徴づけることができる。よって、表4に示す遺伝子は細胞運動性と関連する遺伝子を表し、表5に示す遺伝子は細胞接着と関連し、表6に示す遺伝子は炎症と関連し、表7に示す遺伝子は新生血管発生(特に血管新生)と関連する。

【0045】

これに代えて、あるいはこれに加えて、対象とする病変周囲試料における遺伝子発現とケロイド外コンパレータにおける遺伝子発現とを比較することが好ましい場合がある。診断を提供するためにこのような試料間で発現を比較することができる適切な遺伝子の例を表8に示す。これらの遺伝子を、それらの生物学的機能を参照してさらに特徴づけることができる。よって、表9に示す遺伝子は細胞運動性と関連する遺伝子を表し、表10に示す遺伝子は細胞接着と関連し、表11に示す遺伝子は炎症と関連し、表12に示す遺伝子は新生血管発生(特に血管新生)と関連する。

10

【0046】

これに代えて、あるいはこれに加えて、対象とする病変周囲試料における遺伝子発現とケロイド周囲コンパレータにおける遺伝子発現とを比較することが好ましい場合がある。診断を提供するためにこのような試料間で発現を比較することができる適切な遺伝子の例を表13に示す。このような比較に基づく診断は、治癒過程における異なる時点での、対象とする組織およびコンパレータにおける遺伝子発現を含むことは明らかであろう。用いられる時点に関する情報は表13に示される。表13に示す遺伝子を、それらの生物学的機能を参照してさらに特徴づけることもできる。よって、表14に示す遺伝子は細胞接着と関連し、表15に示す遺伝子は炎症と関連し、表16に示す遺伝子は新生血管発生(特に血管新生)と関連する。

20

【0047】

これに代えて、あるいはこれに加えて、対象とする病変周囲試料における遺伝子発現とケロイド内コンパレータにおける遺伝子発現とを比較することが好ましい場合がある。診断を提供するためにこのような試料間で発現を比較することができる適切な遺伝子の例を表17に示す。これらの遺伝子を、それらの生物学的機能を参照してさらに特徴づけることができる。よって、表18に示す遺伝子は細胞運動性と関連する遺伝子を表し、表19に示す遺伝子は炎症と関連する。

30

【0048】

これに代えて、あるいはこれに加えて、対象とする病変内試料における遺伝子発現と正常皮膚コンパレータにおける遺伝子発現とを比較することが好ましい場合がある。診断を提供するためにこのような試料間で発現を比較することができる適切な遺伝子の例を表21に示す。

【0049】

これに代えて、あるいはこれに加えて、対象とする病変内試料における遺伝子発現とケロイド外コンパレータにおける遺伝子発現とを比較することが好ましい場合がある。診断を提供するためにこのような試料間で発現を比較することができる適切な遺伝子の例を表22に示す。これらの遺伝子を、それらの生物学的機能を参照してさらに特徴づけることができる。よって、表23に示す遺伝子は細胞運動性と関連する遺伝子を表す。

40

【0050】

これに代えて、あるいはこれに加えて、対象とする病変内試料における遺伝子発現とケロイド周囲コンパレータにおける遺伝子発現とを比較することが好ましい場合がある。診断を提供するためにこのような試料間で発現を比較することができる適切な遺伝子の例を表24に示す。これらの遺伝子を、それらの生物学的機能を参照してさらに特徴づけることができる。よって、表25に示す遺伝子は細胞接着と関連する。

【0051】

これに代えて、あるいはこれに加えて、対象とする病変内試料における遺伝子発現とケロイド内コンパレータにおける遺伝子発現とを比較することが好ましい場合がある。診断を提供するためにこのような試料間で発現を比較することができる適切な遺伝子の例を表

50

26に示す。このような比較に基づく診断は、治癒過程における異なる時点での、対象とする組織およびコンパレータにおける遺伝子発現を含むことは明らかであろう。用いられる時点に関する情報は表26に示される。表26に示す遺伝子を、それらの生物学的機能を参照してさらに特徴づけることもできる。よって、表27に示す遺伝子は炎症と関連し、表28に示す遺伝子は新生血管発生(特に血管新生)と関連する。

【0052】

本発明による診断は、本発明の方法、キットまたはアレイのいずれを用いても、表2~28の1以上から独立して選択された1以上の遺伝子の比較を用いることが好ましい場合がある。

【0053】

本発明による診断を行うことを望む当業者は、対象とする瘢痕から入手できる試料の性質を考察し、利用可能なコンパレータ試料の性質を考察し、それによって、上記の考察を参考して適切な遺伝子発現を選択することができる。

【0054】

本発明の方法、キットまたはアレイは表2~28の2以上から選択された遺伝子の比較を含むことができるが特に好ましい。例えば、好ましい方法、キットまたはアレイは表2~28の2つのそれぞれから選択された少なくとも1つの遺伝子の比較を含むことができ、より好ましい方法、キットまたはアレイは表2~28の3つのそれぞれから選択された少なくとも1つの遺伝子の比較を含むことができ、よりさらに好ましい方法、キットまたはアレイは表2~28の4つのそれぞれから選択された少なくとも1つの遺伝子の比較を含むことができ、最も好ましい方法、キットまたはアレイは表2~28の5以上のそれぞれから選択された少なくとも1つの遺伝子の比較を含むことができる。

【0055】

表1から選択された1つの遺伝子の、対象とする瘢痕における遺伝子発現を代表する試料における発現とコンパレータ試料における発現とを比較することにより、本発明による、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかの診断を行うことができる。しかしながら、表1からの複数の遺伝子を用いることが好ましい。従って、表1から選択された最大5つまでの遺伝子の発現を比較することにより本発明による診断が行われることが好ましい場合がある。表1から選択された5、6、7、8、9または10遺伝子の発現を比較することにより本発明による診断が行われることが特に好ましい。表1から選択された最大20または最大50までの遺伝子の発現を比較することにより診断を行うことができる。表1から選択された最大100、200、300、400までの、あるいはさらに最大500までの遺伝子の発現を比較することにより本発明による診断を行うことができる。実際、場合によっては、表1から選択された500以上の遺伝子の発現を比較することにより、本発明による、対象とする瘢痕ケロイドであるかケロイドではないかの診断が行われることが好ましい場合がある。必要に応じて、表1に示した590遺伝子の全部または一部を用いて診断を行うことができる。

【0056】

本発明に関連する対象とする瘢痕は、瘢痕がケロイド組織を含むかケロイドではない組織を含むかを診断することが望ましい任意の瘢痕であることができる。皮膚瘢痕が対象とする適切な瘢痕の好ましい例を構成することは明らかであろう。ケロイドと重症または病的瘢痕の他の形態、たとえば肥厚性瘢痕とを識別する能力は大変価値がある。このような識別により、診断された瘢痕の型に適した臨床治療の選択が可能となる。よって、過度のまたは病的皮膚瘢痕の診断の実施における本発明の方法およびキットの使用は、それらの使用の特に好ましい例を表している。

【0057】

対象とする瘢痕は、好ましくは、ケロイド形成のリスクが高いと考えられる個体由来であることができる。このような個体の例は、ケロイド形成歴を有する患者、アフリカ大陸系集団(African Continental Ancestry Group)の個体またはアジア大陸系集団(Asian Continental Ancestry Group)の個体を含む。

10

20

30

40

50

【0058】

対象とする適切な瘢痕は、皮膚に損傷を受けた個体由来であることができる。特に、これらは、ケロイド形成の高いリスクが存在する部位に損傷を受けた個体を含むことができる。このような部位の例は、一般的には、胸部、背部、肩または頸部などの高い皮膚張力を有する部位を含むことができる。しかしながら、関連する部位には、高い皮膚張力を受けてはいないがケロイド形成のよく見られる、耳たぶなどの部位を含むことができる。

【0059】

本発明の方法、キットおよびアレイを用いる診断は、皮膚創傷を経験した患者からの対象とする瘢痕の診断ばかりでなく、皮膚外傷を経験した患者からの対象とする瘢痕の診断にも有用であることができる。

10

【0060】

本発明においては、“皮膚創傷”は、皮膚の部分的または全体的貫通が生じている状態または臨床状態ばかりでなく、皮膚の1以上の層の部分的または全体的破壊が生じている状態または臨床状態も含むと考えることができる。例えば、創傷は、穿刺創、切開創、切除創および部分層または全層植皮(ドナー部位およびレシピエント部位の両方を含む)を含むことができる。このような創傷は、外科手術または事故による損傷と関連することができる。創傷はまた、皮膚に損傷を与えるのに十分な高温または低温の物質に皮膚を暴露することにより生じる熱傷または熱湯傷を含むこともできる。化学“熱傷”、例えば酸またはアルカリへの皮膚の暴露により引き起こされるものおよび美容処置、例えば皮膚剥離または剥離(いわゆる“化学剥皮”および“レーザー剥皮”を含む)もまた、本発明による診断を行うことが望まれる組織を生じさせる恐れがある。

20

【0061】

本発明においては、“皮膚外傷”は、皮膚を損傷してはいるが貫通していない損傷のことをいうと考えることができる。皮膚外傷と考えることができる損傷の具体例は、皮膚の挫滅傷ばかりでなく、他の“鈍”傷も含む。

30

【0062】

前節に、本発明による診断によって特に利益を得ることができる個体または対象とする瘢痕の例が述べられているが、本発明の方法、キットおよびアレイは、対象とする任意の瘢痕、特にケロイド瘢痕と考えられる瘢痕の診断に有利に使用できることは明らかであろう。一般に、ケロイド瘢痕であることが疑われる組織は以下の群:周囲の皮膚と比較して隆起したプロフィール;元の境界を越えて増殖する病変;以前の皮膚創傷または外傷の部位での病変;周囲の皮膚と比較して色素沈着低下または過剰、から選択される1以上の特質を示す。

30

【0063】

本発明による、対象とする瘢痕における遺伝子発現を代表する試料は、対象とする瘢痕により発現される遺伝子に関する情報を提供できる任意の試料を含む。

【0064】

対象とする瘢痕由来の任意の適切な試料を用いることができる。好ましい試料は生検材料を含み、利用可能であれば、創傷組織、創傷液、創傷吸引物または創傷滲出物の試料を含む。好ましくは、このような生検は、患者に加えられる損傷のレベルを抑えるように選択されたものであって、それによって損傷を限定し、(さらなる)ケロイド形成のリスクを抑制することが見出されたものである。生じる損傷レベルを低下させるために、このような技術には、例えば、針生検を利用することができる。当該試料が由来する対象とする瘢痕の、本発明による診断に、上記した試料形態のいずれも使用できる。

40

【0065】

適切な試料は、組織学的切片または凍結切片などの組織切片を含むことができる。切片が由来する、対象とする瘢痕における遺伝子発現を代表する情報を提供できるように調製された切片による方法は当業者に公知であり、遺伝子発現を調査するときに使用することを目的とする技術を参照して選択することができる。

【0066】

50

対象とする瘢痕の一部を含む試料の使用は考えられるが、遺伝子発現を代表する試料が、対象とする瘢痕から採取された適切な抽出物であって、対象とする瘢痕における遺伝子発現に関する情報を提供するために調査することができる前記抽出物を含むことが一般に好ましい可能性がある。対象とする瘢痕における遺伝子発現に関する情報を提供できる組織抽出物の調製に使用できる適切なプロトコルは当業者に公知である。好ましいプロトコルは、遺伝子発現を調査する方法を参照して選択することができる。対象とする瘢痕における遺伝子発現を代表する組織抽出物を調製するために使用できるプロトコルの具体例を以下に述べる。

【0067】

どの診断を行うかに関して、対象とする瘢痕を参照して、本発明の方法、キットまたはアレイに使用するための適切なコンパレータ試料を選択することができる。好ましくは、コンパレータ組織は、対象とする瘢痕にできる限り適合したものである(マッチングには、組織型、組織部位などを考慮することができる)。適切なコンパレータ試料の供給元および例は当業者に明らかであり、既知のケロイドに対するそれらの位置を参照して選択された、ケロイド形成者由来の試料ばかりでなく、ケロイド形成の傾向がない個体由来の試料も含む(すなわちケロイドではない組織、ケロイド外組織、病変周囲組織または病変内組織)。皮膚が、コンパレータ試料の好ましい供給元を構成することは明らかであろう。

10

【0068】

適切なコンパレータ試料は、遺伝子発現を代表する標的分子を含むケロイドではない組織または臓器の部分を含むことができる(この場合、組織における遺伝子の発現に関する情報を、たとえば標的分子の分析により組織から抽出することができるよう組織を保存しなければならない)。また、コンパレータ試料における遺伝子発現を代表する抽出されたおよび/または単離された標的分子(たとえばmRNAまたはcDNA)を組み込んだ組織抽出物を適切なコンパレータ試料は含むことができる。コンパレータ試料における遺伝子発現に関する関連情報は、明細書の他の部分で考察されているように、このような試料由来のデータの形で提供することもできる。

20

【0069】

選択された遺伝子の発現に関する情報を引き出すことができるコンパレータ試料は、本明細書において対象とする瘢痕由来の試料を参照して考察された組織サンプルおよび組織抽出物を含む。例えば、このような情報は、コンパレータ試料を構成する組織または臓器試料から、あるいは選択された対照サンプルにおける遺伝子発現に関する情報を提供できる抽出物から直接に引き出すことができる。対象とする瘢痕における遺伝子発現の調査に関連した本明細書記載の方法を用いて、このタイプのコンパレータ試料における選択された遺伝子(単数または複数)(表1に示す遺伝子群から選択される)の発現を調査することができる。

30

【0070】

コンパレータ試料を構成する組織もしくは臓器試料またはこのような試料からの抽出物は、(明細書の他の部分で先に述べたように)コンパレータ試料における遺伝子発現に関する情報の供給元として直接に使用することができるが、コンパレータ試料における選択された遺伝子(単数または複数)の発現に関する情報が参照データの形で提供されることが一般に好ましい。選択されたコンパレータ組織における遺伝子発現を示す表の形で、このような参照データを提供することができる。また、選択されたコンパレータ組織における遺伝子発現を示す検索情報を含むコンピュータソフトウェアの形で参照データを供給することもできる。例えば、対象とする瘢痕における少なくとも1つの選択された遺伝子(単数または複数)の発現と、コンパレータ組織サンプルにおける同じ遺伝子(単数または複数)の発現との比較を可能にするアルゴリズムの形で参照データを提供することができる。

40

【0071】

本発明の好ましい実施形態において、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかに関する診断は、対象とする瘢痕における選択された遺伝子の発現を示す結果を、適切なコンパレータ試料における遺伝子発現を代表するデータで訓練された予測アルゴリ

50

ズムに入力することにより自動的に提供することができる。確立され、一般的に用いられる分類システムは、限定するものではないが、例えば、Partek Genomics Suite ソフトウェアパッケージ(Partek Inc.)で利用可能なk近傍法、重心分類法(Centroid Classification)、線形判別分析、ニューラルネットワークおよびサポートベクターマシンを含む。

【0072】

対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を代表する適切な試料は、遺伝子発現に関する定性的および/または定量的情報を提供できる。本発明においては、遺伝子発現に関する定性的情報は、対象とする瘢痕またはコンパレータ試料において発現される遺伝子に関する同定を、発現の相対量に関する情報を(特定の遺伝子が発現されるか発現されないかを除いて)提供せずに提供する情報であると考える。場合によっては、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかに関する診断を可能にする、対象とする瘢痕における発現とコンパレータ試料における発現との十分な比較を定性的情報が可能にすることできることは明らかであろう。

10

【0073】

コンパレータ試料において通常発現されるが、ケロイドにおいて全く発現されない表1の遺伝子の発現が低下していることに基づく定性的情報は診断に特に適している可能性がある。このような場合、対象とする瘢痕における遺伝子の発現の欠如は、ケロイド形成の高いリスクを示すのに十分である。例には、遺伝子番号2、3および4で特定される遺伝子が含まれ、これらの遺伝子の発現を調査することは本発明の好ましい実施形態であることができる。これらの遺伝子の発現を対象とする病変内瘢痕と正常皮膚コンパレータとの間で(定量的または定性的に)比較するとき、これらの遺伝子を診断の根拠として使用できることを本発明者は見出した。

20

【0074】

しかしながら、対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現に関する定量的情報を提供できる試料を使用することが一般に好ましい。このような情報により、対象とする瘢痕における発現レベルとコンパレータ試料における発現レベルとの比較が容易となる。本発明においては、遺伝子発現に関する定量的情報は、絶対または相対定量のいずれかを指すと解釈することができる。絶対または相対定量を達成できる方法については、以下でさらに詳細に説明する。

30

【0075】

対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を代表する試料は、一般に直接または間接に遺伝子発現を代表する標的分子を含む。適切な試料は、このような標的分子を含有する組織サンプルの形で、あるいは好ましくは組織抽出物として提供できる。対象とする瘢痕における遺伝子発現を代表する組織抽出物は、一般に抽出物が入手される組織における遺伝子発現を代表する単離された標的分子を含む。

【0076】

遺伝子発現としての情報を提供できるような、組織サンプルまたは組織抽出物入手できる適切な技術は、用いられる標的分子の型を参照して選択することができる。使用できる適切な技術の例は当業者に明らかであると思われるが、本明細書においても、他の部分で適切な技術に関する手引きが示されている。

40

【0077】

標的タンパク質分子が、直接検出に特に感受性が高い標的分子を表すことは明らかであろう。このような直接検出は、対象とする瘢痕またはコンパレータ試料に存在するタンパク質の量に関する定性的または定量的情報を提供し、それによって発現の比較を可能にすることができる。

【0078】

好ましい例において、試料に存在する特定の標的タンパク質の量は、試料中の標的の生物活性を参照して評価することもできる。このような発現の評価および比較は、酵素活性を有する標的タンパク質の場合に特に適している。酵素活性を有し、それによりこのような調査に特に適した、表1に示す遺伝子の例は、遺伝子番号8、22、24、29、44、46、54、

50

56、60、69、70、75、93、94、97、102、123、133、138、147、148、150、152、159、167
、170、186、194、195、209、216、221、228、232、234、239、243、262、268、289、291
、293、304、306、323、324、326、357、358、359、361、366、382、385、395、398、400
、402、412、419、420、437、440、446、452、456、459、460、466、467、469、472、485
、486、502、505、514、516、517、534、540、558、563、569、575、581、582および587
で特定される遺伝子を含む。標的タンパク質の酵素活性は、例えば、標識酵素基質の分解
を分析することにより調査でき、それによって酵素活性量を対象とする瘢痕またはコンパ
レータ試料において生じる遺伝子発現と関連づけることができる。一例にすぎないが、遺
伝子番号56、366、412および581で特定される酵素はすべてタンパク質分解活性を有し、
従って、それらの基質をタンパク質分解活性により分解するそれらの能力を参照してこれ
らの酵素の存否を評価できるであろう。

10

【0079】

組織サンプルまたは抽出物における標的分子の存否は、一般に適切なプローブ分子を用
いて検出される(とはいへ、上記のように、プローブを必要とせずに標的分子の存否を直
接に測定できる場合もある)。このような検出により遺伝子発現に関する情報が提供され
、それによって、対象とする瘢痕に生じる遺伝子発現とコンパレータ試料に生じる発現と
を比較することが可能となる。このような比較に基づいて本発明による診断を行うことが
できる。

20

【0080】

プローブは、一般に、対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を直
接または間接に代表する標的分子に特異的に結合できる。ついでこのようなプローブの結合
を評価し、遺伝子発現と関連づけることによって、対象とする瘢痕における遺伝子発現
とコンパレータにおける効果的な診断の比較を可能にすることができる。本発明の方法、
キットおよびアレイに使用できる適切なプローブは、本明細書の他の部分で説明されてい
る。

20

【0081】

以下により詳細に考察するように、本発明の方法、キットおよびアレイに使用するのに
適した標的分子は、直接または間接に遺伝子発現を代表する分子である。標的分子は、mR
NA遺伝子転写産物ばかりでなく、このような転写産物の天然および人工の産物(例えはそ
れぞれタンパク質またはcDNA)を含むことができる。本発明に使用する試料は、用いられ
る標的分子の性質を参照して選択された方法で処理されるべきであることは明らかであ
ろう。使用できる標的分子を含有する試料を得るために組織を処理する適切なプロトコルを
以下にさらに説明する。

30

【0082】

適切な標的分子は遺伝子発現の直接産物を含むことができる。このような遺伝子発現の
直接産物は、例えは、遺伝子発現を代表する1以上の遺伝子転写産物を含むことができる
。対象とする瘢痕における遺伝子発現とコンパレータ試料における発現の比較を可能にす
る標的分子としてのmRNA遺伝子転写産物の使用は、本発明の好ましい実施形態である。

30

【0083】

また、対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を代表する試料は、
遺伝子発現を間接的に代表する標的分子を含むことができる。遺伝子発現を間接的に代表
するこのような標的の例は、遺伝子転写産物の翻訳により生成される天然物(例えはタン
パク質)ばかりでなく、遺伝子転写産物から生成される人工の産物も含むことができる。
遺伝子転写産物から生成される人工の標的分子の好ましい例はcDNAおよびcRNAを含み、こ
れらはいずれも公知のプロトコルまたは市販キットもしくは試薬を用いて生成され
ることができる。

40

【0084】

例えは、好ましい実施形態において、対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における
遺伝子発現を代表するRNAは、適切な試料から採取される細胞を溶解し(このことは市販の
溶解緩衝液、例えはQiagen Ltd.製のものを用いて達成できる)、ついで市販の核酸分離力

50

ラム(例えば、Qiagen Ltd製のRNeasy midi spin column)を用いて溶解物を遠心分離する工程により単離することができる。RNA抽出のための他の方法は、Chomczynski, P. and Sacchi, N. (1987) Analytical Biochemistry 162, 156. "Single Step Method of RNA Isolation by Acid Guanidinium Thiocyanate-Phenol-Chloroform Extraction" のフェノールおよびイソチオシアノ酸グアニジンの方法の変法を含む。この方法で得られるRNAは、適切な標的分子自体を構成することもできるし、遺伝子発現を代表する標的分子の産生の鑄型として用いることもできる。

【0085】

対象とする瘢痕またはコンパレータ試料由来のRNAは、例えばSuperscript System (Invitrogen Corp.)を用いるcDNA合成の基質として使用できることが好ましい場合がある。次いで得られたcDNAをビオチン化cRNAに変換し(例えば、Enzo Life Sciences Inc. 製のBioarray RNA Transcript 標識キットを用いて)、ついでこのcRNAを反応混合物から精製する(例えばQiagen Ltd製のRNeasy miniキットを用いて)ことができる。

10

【0086】

標的タンパク質分子の場合は、存在する標的タンパク質の総量を参照して遺伝子発現を評価することができる。対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を代表する試料に存在する標的タンパク質の量の測定のための適切な技術は、限定するものではないが、アプタマーおよび抗体ベースの技術、例えばラジオイムノアッセイ(RIA)、酵素免疫測定法(ELISA)およびウェスタンプロット法、イムノPCRおよび多重アプローチ、例えばビーズまたはマイクロスフェアを用いる技術(例えば、Luminex IncのxMap 技術)を含む(Bloom and Dean (2003) Biomarkers in Clinical Drug Development; Crowther (1995) Elisa Theory and Practice (Humana Press); Singh et al (1993) Diagnostics in the year 2000: Antibody, Biosensor and nucleic acid Technologies (Van Nostrand Reinhold, New York); Niemeyer CM, Adler M, Wacker R. Immuno-PCR: high sensitivity detection of proteins by nucleic acid amplification. Trends Biotechnol. 2005 Apr; 23(4):208-16; Abreu I, Laroche P, Bastos A, Insert V, Cruz M, Nero P, Fonseca JE, Branco J, Machado Caetano JA. Multiplexed immunoassay for detection of rheumatoid factors by FIDISTM technology. Ann N Y Acad Sci. 2005 Jun;1050:357-63)。

20

【0087】

前節に示された文献の開示は、本発明の実施において当業者に有用な方法を記載している範囲で、参照により本願に包含される。

30

【0088】

例えば適切な標的分子を単離するために、コンパレータ試料を構成する組織または臓器試料の処理により、あるいはコンパレータ試料における遺伝子発現を代表する組織抽出物の処理により、コンパレータ試料における表1からの1以上の遺伝子の発現が調査される場合、対象とする瘢痕からの試料を処理するために用いられた方法と同じ方法を用いてこのような処理がおこなわれることが好ましい。対象とする瘢痕およびコンパレータ組織の両方からの試料のこのような並列処理により、これらの組織における遺伝子発現の比較が互いに正規化されるより大きな信頼度を与える(組織を処理し、遺伝子発現を調査するための選択された方法と関連する任意のアーチファクトが、対象とする瘢痕およびコンパレータ試料の両方に生成するので)。

40

【0089】

さらにまた、この方法におけるコンパレータ試料の並列処理は、処理が首尾よくなされたかどうかを医師が確認できる“内部対照”を備える。発現の比較のために選択された、表1からの選択された1以上の遺伝子は通常はコンパレータ組織により発現されることを医師を認識しているため、これらの内部対照の発現が検出できないことを示すアッセイをもたらす処理(遺伝子発現の調査のため)の事例を医師はいずれも無視することができる(これらの結果は、人為的に低い測定値をもたらす処理エラーの結果として生じたと推定されるため)。そうしないと、このような結果は、対象とする瘢痕がケロイド組織を含むという間違った評価を生じさせる恐れがある(表1からの選択された遺伝子(単数または複数)に

50

関して、評価される発現と同じ人為的低下が記録されることになるため)。

【0090】

遺伝子発現の比較を行う前に、対象とする瘢痕またはコンパレータ組織における遺伝子発現を代表する試料を処理することができる。このような操作は、例えば、発現の比較を容易にさせたり、比較により利用可能となる情報を増加させるために設計されることができる。このような試料を処理できる適切な方法の例は以下で考察する。

【0091】

好ましくは、本発明の方法またはキットは、対象とする瘢痕およびコンパレータ組織に関連する発現データが互いに“正規化される”ことができる手段を提供する。正規化により、なされる比較が“同種(like for like)”比較であることが確実にされ、正規化に用いられる適切なパラメータは当業者に公知である。単に例としてあるが、比較する試料における細胞数;および/または比較する試料の総タンパク質量;および/または比較する試料の総核酸量;および/またはケロイドとケロイドではない組織との間で発現が変化しない1以上の遺伝子の発現レベルを参照して正規化を行うことができる。これに代えて、あるいはこれに加えて、適切な対照はケロイドにおいて発現されることが知られている1以上の遺伝子の発現を評価することを含む。このような遺伝子の発現の検出(表1に示す遺伝子の1以上の発現の低下と組み合わせて)により、遺伝子発現を参照できる適切な対照が提供される。本明細書の他の部分で、このような遺伝子の適切な例を考察する。

10

【0092】

本発明に使用する遺伝子発現を代表する好ましい試料は、遺伝子発現を代表する標的核酸分子を含む試料であることを本発明者は見出した。本発明においては、標的核酸は、その存否が検出されるかまたは存在するその量が定量される核酸である。このような検出または定量により、発現の診断上の比較が行われることが可能となる。標的核酸は、好ましくは、標的に対する対応するプローブの核酸配列に相補的な配列を有することができる。本発明による標的核酸は、プローブの対象とするより大きな核酸の特定の配列あるいは、発現レベルを検出することが望ましい全配列(例えば全mRNA転写産物)の両方を含むことができる。適切な標的核酸はRNAおよびDNAの両方を含むことができ、天然に存在する核酸および人工核酸の両方を含むことができる。

20

【0093】

当然のことながら、本発明に使用するのに適した標的核酸は“完全長”核酸(例えば完全長遺伝子転写産物)を含む必要はなく、単にプローブ分子の特異的結合を可能にする十分な長さを含む必要があるだけである。

30

【0094】

当然のことながら、本発明においては、“核酸”または“核酸分子”は、一本鎖または二本鎖形のいずれかのデオキシリボヌクレオチドまたはリボヌクレオチドポリマーを指す。さらにまた、特記しない限り、天然に存在するヌクレオチドと同様に作用できる天然のヌクレオチドの既知のアナログを含むと、これらの用語は理解されるべきである。

【0095】

mRNAは、本発明の方法およびキットに使用できる標的分子の好ましい種類を構成する。mRNA遺伝子転写産物は、対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を直接に代表する。

40

【0096】

遺伝子発現を代表するmRNAは、mRNAの抽出または精製を必要とせずに対象とする瘢痕またはコンパレータ試料中に直接見出すことができるることは明らかであろう。例えば、このような組織の適切に固定された切片または生検材料を用いて、対象とする瘢痕またはコンパレータ試料中に存在し遺伝子発現を代表するmRNAを調査することができる。この種の試料の使用は、発現の比較を迅速に行うことができるという利点ばかりでなく、試料を作成するために比較的安価で簡単な組織処理を用いることができるという利点も提供することができる。in situハイブリダイゼーション技術は、この種の組織試料において遺伝子発現を調査し比較することができる好ましい方法を代表している。対象とする瘢痕またはコ

50

ンパレータ試料における遺伝子発現を代表するRNAの可用性を維持する対象とする瘢痕の処理技術は当業者に公知である。

【0097】

しかしながら、対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を代表するmRNAを抽出し回収できる技術は当業者に公知であり、このような技術を本発明に好都合に用いることができることを本発明者は見出した。対象とする瘢痕またはコンパレータ試料由来の抽出されたmRNAを含む試料は、本発明の方法およびキットに好都合に使用することができる。なぜなら、このような抽出物は、元の組織を含む試料における場合よりも、より容易に調査するのに役立つからである。例えば、遺伝子発現の比較を可能にする適切な標的分子は、対象とする瘢痕試料またはコンパレータ組織試料から単離された全RNAを含むことができる。

10

【0098】

さらにまた、抽出されたRNAを増幅させて、対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現に関する情報を増やすことができる、増やしたmRNA試料を容易に作製することができる。mRNA集団の抽出および増幅のための適切な技術の例は公知であり、以下でさらに詳細に考察する。

【0099】

例として、本発明に使用するのに適した標的核酸を作製するための核酸の分離精製方法は、*Laboratory Techniques in Biochemistry and Molecular Biology: Hybridization With Nucleic Acid Probes, Part I. Theory and Nucleic Acid Preparation*, P. Tijssen, ed. Elsevier, N.Y. (1993) の第3章に詳細に説明されている。

20

【0100】

好ましい方法において、例えば、acid guanidium-phenol-chloroform抽出法を用いて、所定の試料から全核酸を単離することができる。

【0101】

遺伝子発現の調査および比較の前に標的核酸を増幅することが望ましい場合、試料が由来する対象とする瘢痕または対照組織における増幅された核酸の相対頻度を維持または調節する方法を使用することが好ましい場合がある。

【0102】

“定量的”増幅の適切な方法は当業者に公知である。公知の例の1つとして、定量PCRは、コンパレータ試料と対象とする瘢痕由来の試料の間で量が不变であることが知られている対照配列を同時に共増幅することを含む。これにより、PCR反応の較正に用いることができる内部標準が提供される。

30

【0103】

上記に概説した方法に加えて、遺伝子転写産物特異的産物の増幅とシグナルの生成とを結びつける任意の技術もまた、定量に適したものであることができることは当業者には明らかであろう。好ましい例には、mRNAのcDNAへの最初の逆転写を組み込むことにより特定のmRNA転写産物の正確な定量に適したものにした、ポリメラーゼ連鎖反応への便利な改善(US4683195および4683202)を用いるものがある。さらなる重要な改善には、反応の進行に従って、リアルタイムでPCR産物の蓄積の測定を可能にするものがある。蛍光共鳴エネルギー移動を用いて定量的遺伝子特異的シグナルを生成させる適切な技術の例は、Taqman(US5210015および5487972)、分子ビーコン(WO-95/13399)ならびにスコーピオン(US2005/0164219)を含む。各遺伝子標的に対する異なる蛍光部分を用いることにより、複数の転写産物の並列定量が可能である。

40

【0104】

限定するものではないが、他の適切な増幅方法は、核酸配列ベース増幅(NASBA)(Saad F. UPM3: review of a new molecular diagnostic urine test for prostate cancer. Can J Urol. 2005 Feb;12 Suppl 1:40-3); ローリングサークル増幅(Rolling Circle Amplification)(RCA)(Gomez KF, Lane J, Cunnick G, Grimshaw D, Jiang WG, Mansel RE. From PCR to RCA: a surgical trainee's guide to the techniques of genetic amplificati

50

onm. Eur J Surg Oncol. 2002 Aug;28(5):554-9); 分岐鎖核酸(Branched Chain Nucleic Acids)(BCNA)(Andras SC, Power JB, Cocking EC, Davey MR. Strategies for signal amplification in nucleic acid detection. Mol Biotechnol. 2001 Sep;19(1):29-44); インベーダーアッセイ(invader assay)(de Arruda M, Lyamichev VI, Eis PS, Iszczyszyn W, Kwiatkowski RW, Law SM, Olson MC, Rasmussen EB. Invader technology for DNA and RNA analysis: principles and applications. Expert Rev Mol Diagn. 2002 Sep;2(5):487-96); リガーゼ連鎖反応(LCR)(Wu and Wallace, Genomics, 4: 560 (1989), Landegren, et al., Science, 241: 1077 (1988) および Barringer, et al., Gene, 89: 117 (1990)、転写増幅(transcription amplification)(Kwoh, et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 86: 1173 (1989))ならびに自律的配列複製(self-sustained sequence replication)(Guatelli, et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 87: 1874 (1990))を含む。

10

20

30

【0105】

特に好ましい実施形態において、対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を代表する組織由来のmRNA転写産物を逆転写酵素ならびにオリゴdTおよびファージT7プロモーターをコードする配列からなるプロモーターで逆転写して一本鎖DNA鑄型を得ることができる。DNAポリメラーゼを用いて第2DNA鎖を重合させる。二本鎖cDNAの合成後、T7RNAポリメラーゼを添加してcDNA鑄型からRNAを転写する。各一本鎖cDNA鑄型からの転写の連続ラウンドによりRNAの増幅がもたらされる。in vitro重合法は当業者に公知であり(例えば、上記のSambrookを参照のこと)、この具体的な方法はVan Gelder, et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 87: 1663-1667 (1990)に詳細に記載されており、この方法によるin vitro増幅は種々のRNA転写産物の相対頻度を保存していることが明らかにされている。さらに、Eberwine et al. Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 89: 3010-3014 (1992)は、in vitro転写による2ラウンドの増幅を用いて元の出発材料の106倍を超える増幅を達成し、それによって少量の対象とする瘢痕の試料しか得られない場合であっても発現モニタリングを可能にするプロトコルを提供している。

20

30

40

【0106】

前述の直接的転写法はアンチセンスRNA(aRNA)標的の産生をもたらすことは当業者には明らかであろう。このような場合、遺伝子発現の調査および比較に用いられるオリゴヌクレオチドプローブなどのプローブは、アンチセンス核酸の配列または部分配列に相補的に選択される必要がある。

30

40

【0107】

遺伝子発現の比較に人工核酸分子を用いることができることもまた当業者にさらに明らかであろう。本発明に使用するのに適した人工の標的分子の例は、mRNAの逆転写により作製されるcDNAまたは第2鎖cDNAもしくは二本鎖cDNA中間体から転写されるRNA(cRNA)を含む。cDNAおよびcRNAの産生方法は当該技術分野で文書による十分な裏づけがあり、当業者に公知であり、実際産生に適したこれらのキットおよび試薬は商業的に容易に入手できる。

50

【0108】

本発明においては、対象とする瘢痕における遺伝子発現を“代表する”試料は、対象とする瘢痕における遺伝子の発現に関する情報を提供する任意の試料を含むと考えられるべきである。例えば、代表サンプルは対象とする瘢痕において発現されるすべての遺伝子に関する情報を提供でき、好ましくは前記遺伝子の相対的発現レベルに関する情報を提供できる。

50

50

【0109】

好ましい実施形態において、代表サンプルは、対象とする瘢痕における発現がコンパレータと比較される遺伝子(単数または複数)のmRNA遺伝子転写産物の濃度に標的分子の濃度が比例するサンプルである。比例は比較的に厳密であることが好ましいが(例えば、対象とする瘢痕において生じるmRNA遺伝子転写産物数を倍加することにより、試料に存在する対応する標的分子数の倍加がもたらされること)、比例はより緩やかで、非線形でさえあることもできることは当業者には明らかであろう。例えば、対象とする瘢痕におけるmRNA遺伝子転写産物の濃度における5倍の差異が、代表サンプルにおける標的分子の濃度にお

ける3~6倍の差異をもたらすアッセイは、多くの場合十分である。

【0110】

より正確な定量が求められる場合、当業者に公知の方法に従って検量線を作成するため、"標準"標的分子の連続希釈液を使用することができる。標的分子の定量は、互いにおよび/またはケロイドを形成しない組織と比較してケロイドを形成する組織において発現レベルが増加していない"ハウスキーピング"遺伝子に対して相対的で正規化されていることがより好ましい。このような遺伝子の例は、exportin 7(XPO7)、切断・ポリアデニル化特異的第4因子(Cleavage and Polyadenylation Specific Factor 4)、30kDa(CPSF4)、Fボックス唯一タンパク質7(F-box only protein 7)(FBX07)、ADPリボシル化因子1(ARF1)、シグナル配列受容体(SSR2)およびメチオニンtRNA合成酵素(MARS)を含む。

10

【0111】

もちろん、定性的試料(単数または複数)(遺伝子発現の存否の簡単な検出が望ましい場合)の場合は、このような手の込んだ対照またはキャリブレーションを必要としないことは明らかであろう。

【0112】

多くの場合、対象とする瘢痕またはコンパレータ試料において発現されるすべての遺伝子に関する情報を代表サンプルが提供するのが好ましいが、その代りに、発現を受ける遺伝子の総数のサブセットのみの発現に関する情報を適切な代表サンプルは提供することができる。

20

【0113】

多くの場合、関連する試料における標的分子(表1に示す遺伝子の1以上を代表する)の存在を示すことができるプローブ分子を用いて対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現の程度を評価することが好ましい。

【0114】

本発明による方法、キットまたはアッセイにおける標的分子およびプローブの使用により、本発明の方法に感度上昇をもたらすことができる。これにより、対象とする瘢痕における発現とコンパレータ試料における発現の間の本来なら小さな差異を識別する能力を高めることができる。このことは、本発明による診断に関する評価できる利点であろう。

【0115】

一般に、本発明に使用する適切なプローブはそれらの標的分子に結合し、それによって標的分子の検出を可能にする(この検出は、標的分子により代表される表1から選択された遺伝子の発現を示す)。

30

【0116】

本発明に使用するプローブが標的分子(プローブ分子と適切に組み合わせて)の複製を可能にすることが好ましい場合がある。このような複製により多数の標的分子が製造され、それにより標識プローブのさらなる結合が可能となる。次には、このように結合した標識プローブの量の増加が遺伝子発現を示す検出可能シグナルを増幅させる。

【0117】

本発明の方法およびキットに使用するプローブは、調査する遺伝子発現産物(直接または間接)を参照して選択することができる。適切なプローブの例は、オリゴヌクレオチドプローブ、抗体、アプタマーおよび、適切な特異性を有する結合タンパク質または小分子を含む。

【0118】

オリゴヌクレオチドプローブは、本発明の方法およびキットに使用するのに適した好ましいプローブを構成する。適切なオリゴヌクレオチドプローブの製造は当業者に公知である(Oligonucleotide synthesis: Methods and Applications, Piet Herdewijn (ed) Human Press (2004)。オリゴヌクレオチドおよび修飾オリゴヌクレオチドは多数の会社から市販されている。

【0119】

オリゴヌクレオチドは、長さが2~約500ヌクレオチド塩基の一本鎖核酸であり、好まし

40

くは長さが約5～約50ヌクレオチド、より好ましくは約10～約40ヌクレオチド、最も好ましくは約15～約40ヌクレオチドである。適切なハイブリダイゼーション法、状態、時間、液量およびオリゴヌクレオチドプローブのハイブリダイゼーションを検出できる適切な方法は、本明細書の他の部分で説明されている。

【0120】

本発明においては、オリゴヌクレオチドプローブは、1以上の種類の化学結合により相補配列の標的核酸に特異的にハイブリダイズすることができるオリゴヌクレオチドを含むと理解することができる。このような結合は、通例、相補的塩基対形成によって生じ、通例、水素結合形成によって生じる。適切なオリゴヌクレオチドプローブは、天然塩基(すなわちA、G、CもしくはT)または修飾塩基(7-デアザグアノシン、イノシンなど)を含むことができる。加えて、ホスホジエステル結合以外の結合を、この変化がオリゴヌクレオチドプローブのその標的へのハイブリダイゼーションを妨害しない限り、オリゴヌクレオチドプローブ内の塩基に結合させることができる。従って、本発明の方法およびキットに使用するのに適したオリゴヌクレオチドプローブは、ホスホジエステル結合以外のペプチド結合により構成塩基が結合されているペプチド核酸であることができる。

10

【0121】

本明細書において、用語“特異的にハイブリダイズする”は、複雑な混合物中に標的ヌクレオチド配列が存在する場合、ストリンジエントな条件下で、オリゴヌクレオチドプローブが特定の標的ヌクレオチド配列に特異的に結合、二本鎖形成またはハイブリダイズすることをいうために用いられる(例えば、全細胞DNAまたはRNA)。好ましくは、プローブは、特定の標的分子のみに結合、二本鎖形成またはハイブリダイズすることができる。

20

【0122】

用語“ストリンジエントな条件”は、プローブが、その標的サブ配列にハイブリダイズするが、他の配列には最小限にハイブリダイズする条件のことをいう。好ましくは、ストリンジエントな条件下で、プローブは、その標的以外の配列にはハイブリダイズできない。ストリンジエントな条件は配列に依存し、異なる環境下では異なる。より長い配列は、より高い温度で特異的にハイブリダイズする。

【0123】

一般に、ストリンジエントな条件は、明確にされたイオン強度およびpHで特異的配列の熱融点(T_m)よりも約5℃低くなるように選択することができる。 T_m は、平衡時に、標的核酸に相補的なオリゴヌクレオチドプローブの50%が標的核酸にハイブリダイズする温度である(明確にされたイオン強度、pHおよび核酸濃度で)。標的核酸は、一般に過剰に存在するため、 T_m では、平衡時ではプローブの50%がふさがれている。例として、ストリンジエントな条件には、pH7.0～8.3で塩濃度が少なくとも約0.01～1.0M Naイオン濃度(または他の塩)であり、短いプローブ(例えば、10～50ヌクレオチド)に対して温度が少なくとも約30℃である条件がある。ホルムアミドなどの不安定化剤の添加によっても、ストリンジエントな条件を達成することができる。

30

【0124】

アンチセンス標的核酸(aRNA)と共に使用するのに適したプローブの設計および選択に関する考察については前記で述べた。標的核酸がセンス核酸を含む場合、適切なオリゴヌクレオチドプローブは、センス核酸の配列または部分配列に相補的であるように選択することができる。二本鎖である標的核酸の場合は、標的核酸がセンス鎖およびアンチセンス鎖の両方を提供するため、適切なプローブはいずれのセンスであることもできる。

40

【0125】

本発明の方法またはキットに使用するのに適した抗体は、対象とする瘢痕における遺伝子発現を表す、タンパク質などの標的分子を検出するために使用することができる。

【0126】

本発明の方法およびキットに従って、遺伝子発現を調査するために使用できる抗体は、モノクローナル抗体およびポリクローナル抗体ばかりでなく、限定するものではないがFa_bまたはF(ab')₂およびFvフラグメントを含むこれらの抗体のフラグメントをも含む。

50

【0127】

所定の標的に特異的に結合できる抗体の作成および/または同定に適した方法は当業者に公知である。一般に、免疫原として単離された標的を使用して適切な抗体を作成できる。この免疫原は、限定するものではないが、ラット、ウサギ、ヤギまたはマウスなどの哺乳動物に投与され、免疫反応の一部として抗体が誘発される。一般に、抗体は、遺伝子発現のタンパク質産物に結合させるための本発明の方法およびキットに関連して使用される。適切な免疫原は、調査される完全長タンパク質またはそれらの抗原ペプチドフラグメントを含むことができる。

【0128】

モノクローナル抗体は、特定のモノクローナル抗体を分泌することができる不死化細胞株であるハイブリドーマを用いて作成することができる。不死化細胞株は、2つの異なる細胞型(通例リンパ球であって、そのうちの1つが腫瘍細胞である)を融合させることにより、*in vitro*で作成することができる。

10

【0129】

アプタマーは、特定の配列に依存した形態をとり、アプタマーとリガンドの間の錠前と鍵の適合に基づいて特定の標的リガンドに結合する核酸分子のことをいう。一般的には、アプタマーは、一本鎖もしくは二本鎖DNA分子(ssDNAまたはdsDNA)または一本鎖RNA分子(sRNA)のいずれかを含むことができる。

【0130】

アプタマーは、核酸および非核酸標的のいずれにも結合させるために用いることができる。よって、アプタマーは、RNA、DNAおよび小分子またはタンパク質を含む遺伝子発現産物の調査に使用する適切なプローブである。好ましくは、アプタマーは、分子量100～10,000Daを有する遺伝子発現産物を調査するために使用することができる。ssDNAアプタマーは、DNAを含む遺伝子発現産物の調査に使用するのに好ましい場合がある。

20

【0131】

適切なアプタマーは、ランダム配列プールから選択することができ、これらから、選択された標的分子に高親和性で結合する特定のアプタマーを同定できる。望ましい特異性を有するアプタマーの製造および選択の方法は当業者に公知であり、SELEX(systematic evolution of ligand by exponential enrichment)法を含む。簡潔に言えば、オリゴヌクレオチドの巨大なライブラリーを作成し、*in vitro*選択の反復プロセスにより大量の機能性核酸を単離し、次いで、ポリメラーゼ連鎖反応により増幅させる。

30

【0132】

アプタマーは比較的安定な保存期限を有するため、本発明の方法およびキットによる遺伝子発現の調査のためのアプタマーの使用は有利な場合がある。本発明の方法および/またはキットに使用するのに適したアプタマーは、好ましくは、化学修飾(例えば2'-NH₂および2'-F修飾)により安定化させることができる。

【0133】

フォトアプタマー(photoaptamer)は、チミジン(T)ヌクレオチドの代わりに少なくとも1つのプロモデオキシリジン(BrdU)を含むアプタマーのサブクラスである。紫外線にさらされたとき、BrdUの存在により、フォトアプタマーがその標的リガンドと特定の共有結合性架橋を形成することが可能となる。架橋には、親和性に基づく結合および、BrdU(フォトアプタマーにおける特定の位置にある)とアミノ酸(標的リガンドにおける特定の位置にある)間の近接性の両方を必要とするため、遺伝子発現産物との高い特異性の結合を必要とする場合に、本発明の方法およびキットにフォトアプタマーを使用することができる。

40

【0134】

本発明による、遺伝子発現を比較できる適切な方法は、前記の考査を考慮して選択することができる。

【0135】

一般に、調査する標的分子の性質に基づいて分析法を選択することができ、適切な選択

50

基準により、標的核酸と標的タンパク質分子を区別することができる。

【0136】

しかしながら、上記のように、一般に、標的核酸分子に結合できるオリゴヌクレオチドプローブを用いて遺伝子発現を調査し比較することが好ましい。

【0137】

適切な代表サンプルにおける相補的な核酸配列(すなわち標的核酸)を検出するためにオリゴヌクレオチドプローブを用いることができる。このような相補的結合は、特定の遺伝子の発現を検出し、それによって特定の遺伝子の発現を比較することを可能にするためにオリゴヌクレオチドを使用することができる大部分の技術の根拠を形成する。好ましい技術は、複数の遺伝子の発現の並列定量を可能にするが、本明細書に記載の定量的逆転写PCR技術などの、種の増幅および定量がリアルタイムで結合されている技術および、アレイ技術などの、増幅に統いて、増幅された種の定量を行う技術を含む。

10

【0138】

アレイ技術は対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を代表する試料の、各プローブが開示された遺伝子(单数または複数)に選択的にハイブリダイズする複数個のオリゴヌクレオチドプローブを用いるハイブリダイゼーションを含む。アレイ技術は、例えばオリゴヌクレオチド配列の物理的位置(例えば、Affymetrix Inc.から市販されている二次元アレイにおけるグリッド)または他のフィーチャー(例えば、Illumina IncまたはLuminex Incにより市販されている標識ビーズ)との会合により、特定のオリゴヌクレオチド配列の一意的な同定を提供する。オリゴヌクレオチドアレイは、in situで合成することもできるし(例えば、Affymetrix Incにより市販されている光指向合成により)、前もって合成し、接触方式またはインクジェット方式によりスポットすることもできる(AgilentまたはApplied Biosystemsにより市販されている)。全部または一部のcDNA配列もまたアレイ技術のプローブに使用できることは当業者に明らかであろう(Clontechにより市販されている)。

20

【0139】

オリゴヌクレオチドプローブは、遺伝子発現を検出し比較する、サザンプロット法またはノーザンプロット法などのプロット法に使用できる(例えば、遺伝子発現を代表するcDNAまたはmRNA標的分子により)。サザンプロット法またはノーザンプロット法に使用するのに適した技術および試薬は当業者に公知である。簡潔に言えば、DNA(サザンプロット法の場合)またはRNA(ノーザンプロット法の場合)標的分子を含む試料は、アクリルアミドまたはアガロースなどの物質のゲルを浸透するそれらの能力に従って分離される。ゲルの浸透は、毛管作用または電場の活性により駆動されることがある。標的分子の分離が達成されたら、これらの分子は薄膜(一般的にはナイロンまたはニトロセルロース)に転写され、ついで膜に固定化される(例えば焼きつけまたは紫外線照射により)。ついで、膜に結合している標的分子へのオリゴヌクレオチドプローブのハイブリダイゼーションにより、遺伝子発現を検出し、比較することができる。ハイブリダイゼーションを行う適切な条件のさらなる詳細を以下に示す。これらは、ハイブリダイゼーションを検出できる技術の例である。

30

【0140】

特定の状況において、遺伝子発現を比較するための旧来のハイブリダイゼーションプロトコルの使用は疑問であることが明らかとなる場合がある。例えば、プロット技術は、おおよそ同じ分子量の2以上の遺伝子産物を識別することは困難である。なぜなら、このような同様なサイズの産物はゲルを用いて分離することが困難であるからである。よって、このような状況において、下記に示したような代替技術を用いて遺伝子発現を比較することが好ましい場合がある。

40

【0141】

対象とする瘢痕における遺伝子発現を代表する試料における遺伝子発現は、高密度オリゴヌクレオチドアレイ技術による適切な核酸試料内の全体の転写産物レベルを参照して評価できる。この技術は、例えば共有結合によりオリゴヌクレオチドプローブが固体担体に

50

つながれているアレイを使用する。固体担体に固定化されたこれらのオリゴヌクレオチドプローブアレイは、遺伝子発現の比較のための本発明の方法およびキットに用いられる好ましい構成要素を代表する。表1に示す遺伝子から選択される多数の遺伝子の発現の比較に適したアレイを提供するために、このように多数のこののようなプローブを結合させることができる。よって、診断を行うために、表1から選択された2以上の遺伝子の発現を比較することが望ましい場合、本発明の方法またはキットの実施形態において、このようなオリゴヌクレオチドアレイは特に好ましいことは明らかであろう。

【0142】

好ましい実施形態において、オリゴヌクレオチドアレイを用いる遺伝子発現の調査は、低ストリンジエンシーでのオリゴヌクレオチドプローブと標的核酸とのハイブリダイゼーションに続いてより高いストリンジエンシーでの少なくとも1回の洗浄により行うことができる。これらの実施形態に使用するのに適した低ストリンジエンシー条件は、約20～約50（より好ましくは約30～約40、最も好ましくは約37）の反応温度および6×SSPE-T緩衝液（またはそれ以下）を含むことができる。適切なハイブリダイゼーションプロトコルは、望ましいレベルのハイブリダイゼーション特異性が達成されるまでストリンジエンシーを漸増させ、それに続く洗浄を含むことができる。例えばNanogen Inc.により提供されている電気的手段によりハイブリダイゼーションストリンジエンシーを変化させることができる（Sosnowski R, Heller MJ, Tu E, Forster AH, Radtkey R. Active microelectronic array system for DNA hybridization, genotyping and pharmacogenomic applications. *Psychiatr Genet.* 2002 Dec;12(4):181-92）。

10

20

30

【0143】

オリゴヌクレオチドプローブと標的核酸とのハイブリダイゼーションの検出のための適切な技術を、以下でさらに考察する。

【0144】

アレイに組み込まれる選択されたオリゴヌクレオチドプローブの個性を変えて、発現が比較される遺伝子のより詳細な選択を可能にことができる。例えば、本発明の方法またはキットに使用するのに適したアレイは、前記で考察した表1～28から選択された遺伝子の示差発現を参照して選択された1以上のオリゴヌクレオチドプローブを含むことができる。

【0145】

また、対象とする瘢痕またはコンパレータにおける遺伝子発現を代表する試料における核酸配列（例えばmRNAまたはDNA）のレベルに基づいた対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現の評価を、当業者に公知の他の適切な技術を用いて行うことができる。例えば、ノーザンプロット法は、対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を代表するmRNAレベルを評価できる感度のよい方法を提供する。

30

【0146】

遺伝子発現を代表する標的核酸の比較に用いることができる他の適切な方法は、限定するものではないが、核酸配列ベース增幅（NASBA）；ローリングサークルDNA增幅（RCA）；分枝核酸およびインベーダーアッセイ；アプタマー、抗体または抗体誘導体の使用を含む（Singer et al, 1993; Boeckh and Boivin 1998; Bloom and Dean, 2003; Jain, 2004; Millar and Moore, 2004; Olson, 2004; Yang and Rothman, 2004）。

40

【0147】

前述のように、対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現は、もう1つの方法として、遺伝子発現を代表するタンパク質を含む試料を用いて調査することができる。遺伝子発現を評価するためにこのようなタンパク質試料を調査することができる適切な技術は、限定するものではないが、アプタマー検出；質量分析法；核磁気共鳴（NMR）；抗体ベースの方法、例えばイムノPCRおよび多重アプローチ、例えばアレイ、ビーズもしくはマイクロスフェアを用いるもの（例えばLuminex IncからのxMap技術）、ELISA、RIAおよびウェスタンプロット法；ならびに当業者に公知の他の方法（Bloom and Dean (2003) Biomarkers in Clinical Drug Development；Crowther (1995) Elisa Theory and Practice (

50

Humana Press); Singh et al (1993) *Diagnostics in the year 2000: Antibody, Biosensor and nucleic acid Technologies* (Van Nostrand Reinhold, New York); Niemeyer CM, Adler M, Wacker R. Immuno-PCR: high sensitivity detection of proteins by nucleic acid amplification. *Trends Biotechnol.* 2005 Apr;23(4):208-16; Abreu I, Laroche P, Bastos A, Insert V, Cruz M, Nero P, Fonseca JE, Branco J, Machado Caetano J A. Multiplexed immunoassay for detection of rheumatoid factors by FIDISTM technology. *Ann N Y Acad Sci.* 2005 Jun;1050:357-63)を含む。

【0148】

例えば、当該タンパク質の活性に基づくアッセイを用いて酵素活性を有するタンパク質の発現を調査し比較することができる。酵素タンパク質抽出物(対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を代表する試料を構成する)を、例えば、適切に標識した基質の既知量を含む試料と共にインキュベートすることができる。酵素活性量、従つて対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現レベルの徴候は、酵素により変換される基質の量によって測定できる。

10

【0149】

プローブまたは標的分子の検出は、このような分子の検出可能部分への結合(すなわち物理的結合)により容易に行うことができる。あるいは、検出可能部分を組み込んだ適切なプローブまたは標的分子を合成することもできる。本発明の方法、キットまたはアレイに使用するのに適したプローブまたは標的分子における検出可能部分の結合または取り込みに使用できる技術を以下で考察する。

20

【0150】

本発明に使用するのに適したプローブまたは標的の標識化に使用できる検出可能部分の例は、スペクトル的、光化学的、生化学的、免疫化学的、電気的、光学的または化学的手段により検出できる任意の組成物を含む。適切な検出可能部分は、種々の酵素、補欠分子族、蛍光物質、発光物質、生物発光物質、放射性物質および比色物質を含む。これらの検出可能部分は、特記しない限り、本発明の方法またはキットに使用できるすべてのタイプのプローブまたは標的への取り込みに適している。

20

【0151】

適切な酵素の例は、西洋ワサビペルオキシダーゼ、アルカリホスファターゼ、-ガラクトシダーゼまたはアセチルコリンエステラーゼを含み;適切な補欠分子基複合体の例はストレプトアビジン/ビオチンおよびアビジン/ビオチンを含み;適切な蛍光物質の例は、ウンベリフェロン、フルオレセイン、フルオレセインイソチオシアナート、ローダミン、ジクロロトリアジニルアミンフルオレセイン、ダンシルクロリド、フィコエリスリン、テキサスレッド、ローダミン、緑色蛍光タンパク質などを含み;発光物質の例はルミノールを含み;生物発光物質の例はルシフェラーゼ、ルシフェリンおよびイクオリンを含み;適切な放射性物質の例は¹²⁵I、¹³¹I、³⁵S、³H、¹⁴Cまたは³²Pを含み;適切な比色物質の例はコロイド金または有色ガラスもしくはプラスチック(例えば、ポリスチレン、ポリプロピレン、ラテックスなど)ビーズを含む。

30

【0152】

これらの標識を検出する手段は当業者に公知である。例えば、放射性標識は写真フィルムまたはシンチレーションカウンターを用いて検出でき;蛍光マーカーは放出光を検出するための光検出器を用いて検出できる。酵素ラベルは、一般的には、酵素に基質を供給し、基質に対する酵素の作用により生成される反応生成物を検出することにより検出され、比色標識は、単に着色標識を可視化することにより検出される。

40

【0153】

本発明の好ましい実施形態において、蛍光標識プローブまたは標的は、レーザー共焦点スキャナを用いてスキャンし、蛍光を検出できる。

【0154】

標識核酸プローブまたは標的の場合は、ハイブリダイゼーションの前、最中または後に適切な標識を行うことができる。好ましい実施形態において、本発明の方法またはキット

50

に使用する核酸プローブまたは標的は、ハイブリダイゼーションの前に標識される。蛍光標識は特に好ましく、使用される場合、核酸プローブへの標的核酸のハイブリダイゼーションの定量化は、ハイブリダイズした蛍光標識核酸からの蛍光の定量化による。より好ましくは、定量は核酸に組み込まれるハプテンに結合する蛍光標識試薬からのものであることができる。

【0155】

本発明の好ましい実施形態において、ハイブリダイゼーションの分析は、適切な分析ソフトウェア、例えばMicroarray Anakysis Suite(Affymetrix Inc.)を用いて行うことができ、診断は分類ソフトウェア(例えばPartek Genomics Suite from Partek Inc)を使用して自動化することができる。

10

【0156】

アレイの自動スキャナを可能にする自動ステージを備えることができ、自動の測定、記録およびそれに続く蛍光強度情報の処理のためのデータ収集システムを備えることができる蛍光顕微鏡を用いて有効な定量を行うことができる。このような自動化の適切な配置は確立されており、当業者に公知である。

【0157】

好ましい実施形態において、ハイブリダイズした核酸は、核酸に結合した1以上の検出可能部分を検出することにより検出される。当業者に公知の多くの手段のいずれかにより検出可能部分を組み込むことができる。しかしながら、好ましい実施形態において、試料核酸(プローブまたは標的)の調製における増幅行程中にこの様な部分が同時に組み込まれる。従って、例えば、プライマーまたは検出可能部分を有するヌクレオチド標識を用いるポリメラーゼ連鎖反応(PCR)は前記部分を有する増幅産物標識を提供する。好ましい実施形態において、蛍光標識ヌクレオチド(例えばフルオレセイン-標識UTPおよび/またはCTP)を用いる転写増幅により、転写された核酸に標識が組み込まれる。

20

【0158】

また、元の核酸試料(例えば、対象とする瘢痕由来のmRNA、ポリA mRNA、cDNAなど)または元の核酸の増幅完了後の増幅産物に適切な検出可能部分を直接に付加することができる。蛍光標識などの標識を核酸に結合させる手段は当業者に公知であり、例えばニックトランスレーションまたは、核酸をリン酸化し、それに続いて核酸リンカーを結合(連結反応)させて試料核酸を標識(たとえば適切なフルオロフォア)に結合させる末端標識(例えば標識RNAを用いて)を含む。

30

【0159】

前記のように、前述の方法およびキットに加えて、本発明はまた、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断するためのキットであって、

- i) 対象とする瘢痕における、表1に示す群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に特異的に結合できる少なくとも1つのプローブ; および
- ii) コンパレータ組織における前記少なくとも1つの遺伝子の発現レベルを示すことができる標準物質

を含む前記キットを提供する。

40

【0160】

好ましくは、本発明のこの側面によるキットは、アッセイが正しく行われたことを示すことができるアッセイ対照をさらに含むことができる。適切には、このようなアッセイ対照は、ケロイドとケロイドではない組織との間で発現が変化しない遺伝子の発現を示す標的分子を含むことができる。このようなハウスキーピング遺伝子の適切な例は、本明細書の他の部分で考察され、これらの遺伝子のいずれかの発現を代表する標的分子は本発明のキットに好都合に提供することができる。この種のハウスキーピング遺伝子を既知量を提供することにより、アッセイ結果の正規化に対する“標準”を与えることができる。

【0161】

本発明のキットが、ケロイド組織において発現が増加している1以上の遺伝子を代表する物質(例えば標的分子)をさらに含むことが好ましい場合がある。このような遺伝子の提

50

供により、投入原料の絶対量の変化または任意のアッセイ法の効率の変化から生物学的に有意な結果を識別する能力を高めることができる。例えば、リジルオキシダーゼは、ケロイドではない組織と比較してケロイド組織において3倍高い発現を示す。リジルオキシダーゼはコラーゲン架橋に関する重要な酵素であり、線維組織において強く発現されていることが以前に示されている。

【0162】

本発明のキットは、対象とする瘢痕における(またはコンパレータ組織における)遺伝子発現を代表する標的分子の集団の製造原料をさらに含むことができる。このような物質は、標的核酸分子の集団の製造に適切であることができる。あるいは、このような物質は標的タンパク質分子の集団の製造に適切であることができる。対象とする瘢痕またはコンパレータ組織における遺伝子発現を代表する標識標的分子の集団の製造原料をキットが含むことが好ましい場合がある。

10

【0163】

本発明のキットが対象とする瘢痕における表1に示す群から選択された前記少なくとも1つの遺伝子の発現レベルが、対象とする瘢痕がケロイド組織であることの診断を示すことができるアルゴリズムまたは参照データ/物質をさらに含むことができることもまた好ましい。

【0164】

アルゴリズムは、表1に示す群から選択された前記少なくとも1つの遺伝子の遺伝子発現における、コンパレータデータと対象とする瘢痕からのデータ(例えば既知の患者データ)との差異の数学モデルの形で提供できる。ついで、この数学モデルを、新規な患者試料からの、表1に示す群から選択された前記少なくとも1つの遺伝子の遺伝子発現データに展開することができる。こうして、このように作成されたアウトプットにより、対象とする瘢痕がケロイド組織を含むかケロイドではない組織を含むかに関する診断が得られる。

20

【0165】

本発明のこの第2の側面によるキットに含まれるプローブを、本発明の第1の側面と同じ基準を用いて選択することができる。オリゴヌクレオチドプローブ、抗体、アプタマーおよび特異的結合タンパク質を含む群から適切なプローブを選択することができる。

【0166】

本発明によるキットは、好ましくは、表1に示す群から選択された5つまでの遺伝子の発現を代表する標的分子(すなわち表1から選択された5つまでの遺伝子の発現を代表する標的分子)に特異的に結合できるプローブを含むことができる。本発明のキットが、5、6、7、8、9または10のこのような標的分子に結合できるプローブを含むことが特に好ましい。表1に示す遺伝子から選択された20までの、または50までの遺伝子に結合できるプローブをキットは含むことができる。100、200、300、400または500までのこのような標的分子に結合できるプローブを適切なキットは含むことができる。実際、本発明のキットは、500以上の標的分子に特異的に結合できるプローブを含むことができ、表1に示す遺伝子の590全部の発現を代表する標的に特異的に結合できるプローブを含むことさえできる。

30

【0167】

本発明のキットは、表1から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に結合できるプローブおよび/または表2から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に結合できるプローブおよび/または表3から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に結合できるプローブおよび/または表8から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に結合できるプローブおよび/または表13から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に結合できるプローブおよび/または表17から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に結合できるプローブおよび/または表20から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に結合できるプローブおよび/または表22から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に結合できるプローブおよび/または表24から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に結合できるプローブおよび/ま

40

50

たは表26から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に結合できるプローブを含む。

【0168】

本発明のキットは、表2~28のいずれか1つ(またはその任意の組み合わせ)を代表する任意の遺伝子の遺伝子発現を代表するの標的分子に結合できるプローブを含むことができる。

【0169】

本発明のキットで提供されるプローブは、好ましくは標識プローブであることができる。標識プローブは、本発明の第1の側面に関連して考察した任意の検出可能部分を含むことができる。好ましい標識プローブは、ハプテン、蛍光標識プローブ、放射性標識プローブおよび酵素標識プローブを含む群から選択することができる。

10

【0170】

本発明のキットで提供される標準物質は、表1に示す遺伝子群から選択される1以上の遺伝子の適切なコンパレータ試料における発現を代表する標的核酸のライブラリーを含むことができる。

【0171】

好ましい実施形態において、標準物質は、ケロイドおよびケロイドではない組織における表1に示す遺伝子群から選択される1以上の遺伝子の発現レベルに関する記録された情報を含むことができる。

20

【0172】

最も好ましい例において、表1に示す遺伝子群から選択される1以上の遺伝子の発現レベルに基づいて診断を行うことができるアルゴリズムを作成するために参照データを使用することができる。

【0173】

本発明のキットにより提供されるオリゴヌクレオチドプローブは、好ましくは、本明細書の他の部分で考察されたオリゴヌクレオチドアレイの形で提供することができる。

【0174】

対象とする瘢痕がケロイド組織であるかケロイドではない組織であるかに関する本発明による診断を行う上でオリゴヌクレオチドアレイの使用が特に有用であることが、今までのページから明らかであろう。

30

【0175】

よって、本発明の第3の側面において、アレイに存在するオリゴヌクレオチドプローブの少なくとも7.0%が表1に示す遺伝子群から選択される遺伝子を代表することを特徴とするオリゴヌクレオチドプローブアレイが提供される。

【0176】

本発明はまた、表1に示す遺伝子群の1以上の発現を代表する分子に特異的に結合できる固定化抗体プローブを含むアレイを提供する。さらにまた、本発明は、表1に示す遺伝子群から選択される遺伝子を代表する核酸プローブが付着したナイロン支持体を含むアレイも提供する。核酸プローブは、好ましくはcDNA分子であることができる。

30

【0177】

平面のアレイ表面が好ましいが、事実上任意の形状の表面上あるいは複合的な表面上でさえもアレイを作成することができる。さらなる例において、各ビーズが既知の核酸配列をディスプレイするアドレス可能なビーズのライブラリーの表面上に適切なアレイを作成することができる。また、ナイロン支持体、一般的には編まれたまたは編まれていないナイロン膜の表面上に適切なアレイを作成できる。

【0178】

本発明のアレイは多数の表1に示す遺伝子の発現を同時に比較する(実際、このような遺伝子の同時発現を比較する)ために使用でき、これにより労力・費用・時間を抑制する顕著な利点がもたらされることは明らかであろう。さらにまた、複数の遺伝子の発現レベルの比較により、本発明により行うことができる診断に大きな信頼が与えられる。

50

【 0 1 7 9 】

本発明のアレイは、表1に示す群から選択された遺伝子に特異的な5つまでのプローブを含むことができる。好ましくは、アレイは、表1に示す群から選択された遺伝子に特異的な5、6、7、8、9または10のプローブを含むことができる。アレイは、表1に示す群から選択された20までの、または50までの遺伝子に特異的なプローブを含むことができる。適切なアレイは、表1に示す群から選択された100までの、200までの、300までの、400までのまたは500までのプローブの特定の遺伝子を含むことができる。実際、適切なアレイは、表1に示す遺伝子の500以上に特異的なプローブを含むことができ、表1に示す遺伝子590のすべてに特異的なプローブを含むことさえできる。プローブのそれぞれは、異なる選択された遺伝子に特異的であるべきであり、各プローブの2以上のコピーを提供できることは明らかであろう。

10

【 0 1 8 0 】

本発明のアレイは、表2に示す群から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的に結合できるプローブおよび/または表3に示す群から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的に結合できるプローブおよび/または表8に示す群から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的に結合できるプローブおよび/または表13に示す群から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的に結合できるプローブおよび/または表17に示す群から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的に結合できるプローブおよび/または表20に示す群から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的に結合できるプローブおよび/または表22に示す群から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的に結合できるプローブおよび/または表24に示す群から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的に結合できるプローブおよび/または表26に示す群から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的に結合できるプローブを含むことができる。

20

【 0 1 8 1 】

本発明のアレイは、表1~28のいずれか1つまたはその任意の組み合わせから選択された1以上の遺伝子の発現を代表する標的に結合できるプローブを含むことができる。

【 0 1 8 2 】

本発明のアレイは、ケロイド組織において発現が増加している1以上の遺伝子をさらに含むことが好ましい。このような遺伝子の提供により、投入原料の絶対量の変化または任意のアッセイ法の効率の変化から生物学的に有意な結果を識別する能力を高めることができる。例えば、リジルオキシダーゼは、ケロイドではない組織と比較してケロイド組織において3倍高い発現を示す。リジルオキシダーゼはコラーゲン架橋に関する重要な酵素であり、線維組織において強く発現されていることが以前に示されている。

30

【 0 1 8 3 】

任意のアッセイの有効性を評価できる対照を提供するために、本発明の方法、キットおよびアレイは1以上の“ハウスキーピング遺伝子”を使用することができる。本発明のキット中にまたは本発明のアレイ上にこれらのハウスキーピング遺伝子を提供することができる。適切なハウスキーピング遺伝子は、ケロイドとケロイドではない組織との間で不变であるか、あるいはケロイド形成に関連を有さない遺伝子である。ケロイドおよびケロイドではない(コンパレータ)生検試料の両方において不变の発現を示す遺伝子の例は、exportin 7 (XPO7)、切断・ポリアデニル化特異的第4因子(Cleavage and Polyadenylation Specific Factor 4)、30kDa(CPSF4)、Fボックス唯一タンパク質7(F-box only protein 7) (FBXO7)、ADPリボシル化因子1(ARF1)、シグナル配列受容体(SSR2)およびメチオニンtRNA合成酵素(MARS)を含む。

40

【 0 1 8 4 】

本発明によるオリゴヌクレオチドアレイは、当該技術分野で公知の任意の適切な技術により合成することができる。このようなアレイの合成に使用できる好ましい技術は、光指向性超大規模固定化ポリマー合成法(VLSIPS)であり、これは多くの出版物において以前に記載されている(Lipshutz RJ, Fodor SP, Gingeras TR, Lockhart DJ. High density syn

50

thetic oligonucleotide arrays. *Nat Genet.* 1999 Jan;21(1 Suppl):20-4; Jacobs JW, Fodor SP. Combinatorial chemistry--applications of light-directed chemical synthesis. *Trends Biotechnol.* 1994 Jan;12(1):19-26)。

【0185】

本発明によるオリゴヌクレオチドアレイによりハイブリダイゼーションの比較が可能になり、それによって大変少ない液量で遺伝子発現を行うことができる(例えば250 μl以下、より好ましくは100 μl以下、最も好ましくは10 μl以下)。このことは多くの利点を与える。少ない容量においては、ハイブリダイゼーションは大変迅速に進行する。加えて、ハイブリダイゼーション条件は試料中で極めて均一であり、ハイブリダイゼーションフォーマットは自動処理を受け入れやすい。

10

【0186】

本発明による診断(本発明の方法、キットまたはアレイのいずれを使用しても)は、ケロイド瘢痕を緩和または治癒するために用いる処置の有効性を評価するのに有用であることができることは当業者には明らかであろう。処置が有益な効果を生むケロイドは、表1~2のいずれかに示す遺伝子に関して観察される発現の低下を緩和するその能力により特定できる。

20

【0187】

処置されたケロイド内の、表1から選択された1以上の遺伝子の発現を、正常皮膚コンパレータに見られる前記遺伝子(单数または複数)の発現により類似させる処置は、処置されるケロイドに有益な効果を示すとみなすべきである。処置されたケロイドにおける発現が正常皮膚コンパレータに見られる発現により類似していない場合、処置は、当該ケロイド瘢痕に有益でないとみなすことができる。このような場合、代替処置戦略を適用し、場合により続いて、同様に代替戦略の効果を評価することが望まれる。

30

【0188】

表の説明

本発明により発現が調査できる遺伝子を付表に示す。これらの表は、各遺伝子に関して、遺伝子番号;公開識別子およびデータソース(これらにより、当業者は当該遺伝子を識別でき、その配列に関する情報をさらに入手することができる);遺伝子名;プローブID(当該遺伝子の発現を調査するために使用できる少なくとも1つのプローブの詳細を示す);当該遺伝子の発現の比較に使用できる組織の詳細;ならびに実験結果セクションに記載されているように行った比較により得た発現における倍率変化およびP値の詳細を提供する。

30

【0189】

表1:ケロイド瘢痕を診断するための遺伝子。すべての遺伝子は高度に統計的に有意であり、p値は0.01未満である。

【0190】

表2:対象とする瘢痕の病変周囲試料がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断するのに使用できる遺伝子。

【0191】

表3:対象とする瘢痕からの病変周囲試料と正常皮膚コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。

40

【0192】

表4:対象とする瘢痕からの病変周囲試料と正常皮膚コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0006928)に基づく細胞運動機能を有するタンパク質をコードする。

【0193】

表5:対象とする瘢痕からの病変周囲試料と正常皮膚コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0007155)に基

50

づく細胞接着機能を有するタンパク質をコードする。

【0194】

表6:対象とする瘢痕からの病変周囲試料と正常皮膚コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0006954)に基づく炎症機能を有するタンパク質をコードする。

【0195】

表7:対象とする瘢痕からの病変周囲試料と正常皮膚コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0001525)に基づく血管新生機能を有するタンパク質をコードする。

10

【0196】

表8:対象とする瘢痕からの病変周囲試料とケロイド外コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。

【0197】

表9:対象とする瘢痕からの病変周囲試料とケロイド外コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0006928)に基づく細胞運動機能を有するタンパク質をコードする。

20

【0198】

表10:対象とする瘢痕からの病変周囲試料とケロイド外コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0007155)に基づく細胞接着機能を有するタンパク質をコードする。

【0199】

表11:対象とする瘢痕からの病変周囲試料とケロイド外コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0006954)に基づく炎症機能を有するタンパク質をコードする。

30

【0200】

表12:対象とする瘢痕からの病変周囲試料とケロイド外コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0001525)に基づく血管新生機能を有するタンパク質をコードする。

【0201】

表13:対象とする瘢痕からの病変周囲試料とケロイド周囲コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。

【0202】

表14:対象とする瘢痕からの病変周囲試料とケロイド周囲コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0007155)に基づく細胞接着機能を有するタンパク質をコードする。

40

【0203】

表15:対象とする瘢痕からの病変周囲試料とケロイド周囲コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0006954)に基づく炎症機能を有するタンパク質をコードする。

【0204】

50

表16:対象とする瘢痕からの病変周囲試料とケロイド周囲コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0001525)に基づく血管新生機能を有するタンパク質をコードする。

【0205】

表17:対象とする瘢痕からの病変周囲試料とケロイド内コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。

【0206】

表18:対象とする瘢痕からの病変周囲試料とケロイド内コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0006928)に基づく細胞運動機能を有するタンパク質をコードする。

10

【0207】

表19:対象とする瘢痕からの病変周囲試料とケロイド内コンパレータとの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0006954)に基づく炎症機能を有するタンパク質をコードする。

【0208】

表20:対象とする瘢痕の病変内試料がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断するのに使用できる遺伝子。

20

【0209】

表21:対象とする瘢痕からの病変内試料と正常皮膚コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。

【0210】

表22:対象とする瘢痕からの病変内試料とケロイド外コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。

30

【0211】

表23:対象とする瘢痕からの病変内試料とケロイド外コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0006928)に基づく細胞運動機能を有するタンパク質をコードする。

【0212】

表24:対象とする瘢痕からの病変内試料とケロイド周囲コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。

【0213】

表25:対象とする瘢痕からの病変内試料とケロイド周囲コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0007155)に基づく細胞接着機能を有するタンパク質をコードする。

40

【0214】

表26:対象とする瘢痕からの病変内試料とケロイド内コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。

【0215】

表27:対象とする瘢痕からの病変内試料とケロイド内コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断するこ

50

とができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0006954)に基づく炎症機能を有するタンパク質をコードする。

【0216】

表28:対象とする瘢痕からの病変内試料とケロイド内コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0001525)に基づく血管新生機能を有するタンパク質をコードする。

【0217】

ここで、以下の実験結果を参照して本発明をさらに詳しく説明する。

【実施例】

【0218】

実験結果

対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断するために使用する表1に示す遺伝子の適合性を以下の研究で例証する。この研究において、既知のケロイド組織および適切に適合させたコンパレータ組織から採取した試料間で表1に示す遺伝子の発現を比較した。

【0219】

1.1ケロイド組織の診断

本研究に使用するために、少なくとも1年間ケロイドを発症していたアフリカ大陸系集団の患者20名からケロイド試料の提供を受けた。完全な病歴が確認できるケロイドのみを採用した。瘢痕の年数、瘢痕歴の十分な見直しおよび臨床医による検査により、瘢痕がケロイドであって、肥厚性瘢痕ではないことが正しく診断されたことを確認した。

【0220】

本明細書に記載の研究に使用するために、ケロイド形成歴のないアフリカ大陸系集団の被験者から対照コンパレータ組織(“正常コンパレータ”)の提供を受けた。

【0221】

1.2組織採取

ケロイド端部と直角に橢円体切除を用いてケロイドの試料を採取し、得られた生検材料を切断して、ケロイド病変を取り囲む皮膚(ケロイド外組織)、ケロイド病変の周辺部(病変周囲組織)またはケロイド病変の内部(病変内組織)を含む試料を得た。これらの組織は厳密に診断されたケロイド試料から選択されているため、表1に示す遺伝子の診断能を試験するための適切な実験試料が提供される。

【0222】

これらの手順で採取したケロイド外組織は、以下の研究に使用するコンパレータ組織(ケロイド外コンパレータ)として用いた。ケロイド非形成者からの皮膚組織もまた同様に生検を実施して関連するケロイドではないコンパレータ組織を得た。

【0223】

採取後に、RNA Later溶液(Ambion)に生検切片を浸し、後の遺伝子発現分析まで-80°Cで保存した。

【0224】

1.3組織における遺伝子発現を代表する試料の調製

ケロイド形成者からの病変周囲、病変内および病変外試料と、ケロイド非形成者からの皮膚試料を、Qiagen(商標)溶解緩衝液の存在下でDiaz(G-10)ホモジナイザーを用いて粉碎し、ついで、生成した溶解物をプロテイナーゼKと共に55°Cで20分間インキュベートした。

【0225】

インキュベーションに続いて混合物を遠心分離で分離し、存在するRNAをRNeasy midi spinカラム(Qiagen Ltd)を用いて精製した。

【0226】

1.4標的核酸の產生

10

20

30

40

50

Superscript System(Invitrogen Corp.)を用いるcDNA合成のために、全RNA 10 μ gを基質として用いた。ついで、BioArray RNA転写産物標識キット(Enzo Life Sciences Inc.)を用いて、得られたcDNAをビオチン化cRNA標的分子に変換した。続いて、RNeasy miniキット(Qiagen Ltd)を用いて反応混合物からcRNA標的分子を精製した。アレイハイブリダイゼーションのために、cRNA 20 μ gを断片化した。

【0227】

1.5 遺伝子発現の比較

断片化した、病変周囲および病変内ケロイド組織ならびにケロイド外およびケロイドではないコンパレータ組織における遺伝子発現を代表するcRNA標的分子を、表1に示す遺伝子を代表するオリゴヌクレオチドプローブを含むオリゴヌクレオチドアレイにハイブリダイズさせた。ハイブリダイゼーションを行うためにAffymetrix標準プロトコル(Affymetrix Inc)を用いた。ハイブリダイズしたアレイをストレプトアビジン-フィコエリスリンで染色し、ついで蛍光強度を生じさせるためにレーザー共焦点スキャナを用いてスキャンした。

10

【0228】

すべてのアレイを目標輝度値1000に正規化し、Microarray Analysis Suite version5.0ソフトウェアを用いて信号値および検出P値を算出した。コンパレータ組織における発現と発現を比較するために、品質管理を合格したデータセットをSpotfire analysis suiteにインポートした。

20

【0229】

信号値をlog2スケールに変換し、log2変換データに関して、ケロイドを代表する試料における遺伝子発現とコンパレータにおける発現を比較するt検定を行った。各試料群に対して平均信号値を算出し、これらの平均値から倍率変化を算出した。

【0230】

1.6 結果

ケロイド組織(病変周囲および病変内組織)における表1に示す遺伝子の発現とコンパレータ組織における同じ遺伝子の発現とを比較するt検定は、すべて、0.01未満のt検定P値を示した。このことにより、表1に示す遺伝子の発現のそれぞれすべてが、コンパレータとは対照的にケロイド組織において高度に顕著に低下していることが確認される。

30

【0231】

対象とする瘢痕からの試料における表1に示す群からの1以上の遺伝子の発現が、コンパレータ試料における同じ遺伝子(单数または複数)の発現と比較して低下していることが、対象とする瘢痕がケロイド組織であることの明確な診断を提供することをこれらの結果は明確に示している。

【0232】

低下診断-表1

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
1	4250	Entrez Gene	セクレトグロビン、77ミリ-2A、メノハ-2	36329_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.009	7.1701E-04
				36329_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.017	3.3179E-04
				36329_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.021	2.8985E-03
				36329_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.023	2.7212E-03
2	5304	Entrez Gene	プロラクチン誘導タンパク質	36329_at	Day 3 Pari / Day 3 Control	0.131	2.0793E-03
				41094_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.032	5.1676E-04
				41094_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.076	9.5581E-03
				41094_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.094	1.9791E-04
3	10647	Entrez Gene	セクレトグロビン、77ミリ-1D、メノハ-2	32880_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.033	4.4000E-05
				32880_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.065	7.5456E-03
				32880_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.075	8.2511E-04
				32880_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.102	5.4095E-03
4	HG1783-HT178	The Institute for Genomic Research	...	32880_at	Day 3 Pari / Day 3 Control	0.211	2.6562E-03
				325_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.038	6.4653E-03
				325_s_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.060	1.7598E-03
				325_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.073	2.6304E-04
5	2167	Entrez Gene	脂肪細胞型脂肪酸結合タンパク質4	38430_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.091	6.8631E-04
				38430_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.053	1.3371E-03
				38430_at	Day 3 Intra / Day 7 Control	0.075	4.2884E-03
				38430_at	Day 0 Pari / Day 0 Control	0.219	8.7014E-03
6	3283	Entrez Gene	ヒドロキシ-Δ5-ステロイド脱水素酵素、3β-および5β-ステロイドヒドロキシラーゼ1	35721_at	Day 0 Intra / Day 0 Pari	0.062	4.4497E-03
				35272_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.068	6.8141E-03
				35272_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.117	4.3324E-03
				32190_at	Day 0 Intra / Day 0 Pari	0.081	5.6361E-04
				32190_at	Day 7 Intra / Day 7 Pari	0.201	7.6424E-03
				32190_at	Day 3 Pari / Day 0 Pari	0.365	8.5757E-03
9	247	Entrez Gene	アラキドン酸15-リボキシゲナーゼ、2型	37430_at	Day 0 Intra / Day 0 Pari	0.096	4.5492E-03
				34190_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.129	1.6089E-03
10	1690	Entrez Gene	凝固因子Cホモログ、コトリル(Limulus polyphemus)				

【 0 2 3 3 】

低下診断-表1

遺伝子番号	公開識別子	チーナス	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
11	553168	Entrez Gene	第1染色体オーブリーディングフレーム68	31326_at	Day 7 Perl / Day 7 Control	0.138	7.6909E-03
				31326_at	Day 3 Perl / Day 3 Control	0.214	6.7718E-03
				31326_at	Day 7 Perl / Day 0 Perl	0.229	1.6500E-05
				31326_at	Day 7 Perl / Day 7 Extra	0.288	7.6740E-03
12	HG371-HT2638	The Institute for Genomic Research	...	31326_at	Day 3 Perl / Day 0 Perl	0.487	3.0725E-03
13	125	Entrez Gene	アルコルビトロケナーゼ1B(ケラバス)、 βホリヘプチド	700_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Perl	0.143	4.4849E-03
14	3205	Entrez Gene	ホメオボックスA9	35730_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.162	9.2302E-03
15	7136	Entrez Gene	トロボニク2型(速筋型)	35730_at	Day 0 Perl / Day 0 Intra	0.252	5.3255E-03
16	L09190	GenBank	ホモ・サピエンス(ヒト)のPlacentaCot25号-1ヒトの完全長cDNAクローネCS001027YJ05	37635_at	Day 3 Intra / Day 3 Perl	0.206	2.8404E-03
17	6210	Entrez Gene	リポソームタバク質S15a	34316_at	Day 3 Perl / Day 3 Control	0.241	3.8100E-05
				34316_at	Day 7 Perl / Day 7 Control	0.432	2.3230E-04
				34316_at	Day 3 Perl / Day 3 Extra	0.476	1.6785E-04
18	7123	Entrez Gene	C型レチントメイソナミ-3、メンバ-B	36569_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.243	7.7786E-03
				36569_at	Day 3 Perl / Day 0 Perl	0.356	1.8400E-05
				36569_at	Day 7 Perl / Day 0 Perl	0.428	5.8746E-04
19	10351	Entrez Gene	ATP結合カセット、サブファミリA(ABC1)、メンバ-B	35717_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.279	3.1169E-03
				35717_at	Day 3 Intra / Day 3 Perl	0.305	5.8783E-04
20	AB011538	GenBank	CDNAクローネIMAGE:59222621	35324_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.280	3.8006E-03
				35324_at	Day 3 Perl / Day 0 Perl	0.447	1.3446E-04
21	3131	Entrez Gene	肝白血病因子	38627_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.289	4.2479E-03
				38627_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.325	1.1838E-03
				38627_at	Day 0 Perl / Day 0 Intra	0.556	6.7101E-03
22	M57951	GenBank	UDPグリカルコン酸転移酵素17αミリ- ボリペプチドA10//UDPグリカルコン酸転移酵素 17αミリ-ボリペプチドA8//UDPグリカルコン酸転	32392_s_at	Day 3 Perl / Day 3 Extra	0.320	3.1014E-05

低下診断-表1

遺伝子番号	公開識別子	アーティス	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
23	4211	Entrez Gene	Meis1, 骨髓性エクトロビックカイルス組み込み部位1ホモ	40763_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.324	4.5206E-03
24	2053	Entrez Gene	細胞質ホキシド加水分解酵素2	41473_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.327	3.5922E-03
25	4253	Entrez Gene	CTAGE7アリーノバ-5	41473_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.521	6.6949E-03
26	5271	Entrez Gene	セルヒペラチナセロ酸酵解、ルトB(オドアルブミン)、ノバ-8	41615_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.330	3.8948E-03
27	3119	Entrez Gene	主要組織適合性様体、クラIII, DQ β 1	36312_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.331	4.7432E-04
28	10761	Entrez Gene	シングルカルボン酸266	36878_1_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.482	4.6038E-03
29	4128	Entrez Gene	モアシ酸化酵素A	41621_1_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.350	9.9663E-03
30	3885	Entrez Gene	ケラチン、毛髪、酸性、4	41772_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.351	3.2109E-03
31	8483	Entrez Gene	軟骨中間層タンパク質、ヌクレオチドヒロホスピリラセ	41771_0_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.484	2.4030E-03
32	11075	Entrez Gene	ヌクレオチドヒロホスピリラセ	34912_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.614	6.2007E-03
33	3075	Entrez Gene	補体因子H	34985_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.352	4.5590E-03
34	10458	Entrez Gene	BA11結合タンパク質2	34985_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.354	4.8214E-04
35	9086	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子1A、Y連鎖	34985_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.381	2.9109E-03
36	2273	Entrez Gene	41/2LIMメイン1	38800_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.356	5.6882E-03
37	23016	Entrez Gene	イキソーム成分7	32250_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.356	2.4648E-03
				37761_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.358	3.2292E-04
				37760_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.799	B.1747E-03
				40097_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.358	6.6154E-03
				32512_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.367	5.7500E-03
				32512_bt	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.598	1.0604E-03
				32512_bt	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.643	1.4304E-03
				33294_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.369	2.9368E-04
				33294_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.453	3.7416E-04

【 0 2 3 5 】

低下診断-表1

遺伝子番号	公開識別子	アーティス	遺伝子名	7 th ID	比較	倍率変化	P値
38	23352	Entrez Gene	網膜芽細胞腫関連因子600	33850_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.359	5.2550E-04
39	7138	Entrez Gene	トロボニット2型(選筋型)	33850_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.374	1.4026E-03
40	4223	Entrez Gene	間葉木栓オホツク2(成長停止特異的ホメオボックス)	33850_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.452	4.0374E-03
41	3400	Entrez Gene	DNA結合阻害因子4(ミシントンガチ7) ヘリクス・ループ・ヘリクスタンパク質	40988_s_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.376	7.2046E-03
42	10521	Entrez Gene	DEAD(Asp-Glu-Ala-Asp)オホツクホリベーチト17	41536_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.381	8.0900E-05
43	8710	Entrez Gene	セルビンヘリカチセ阻害剤、クレドB(オボアルブミン)、 シルバーヘリカチセ	35363_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.410	2.1354E-03
44	2194	Entrez Gene	脂肪酸シナセ	35363_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.488	2.0560E-03
45	3202	Entrez Gene	ホメオボックスA5	35363_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.383	2.2472E-03
46	54	Entrez Gene	酒石酸耐性酸性ホムオタセ5	35577_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.577	6.8649E-03
47	406	Entrez Gene	アリル炭化水素受容体核内輸送体様	35577_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.385	4.8105E-04
48	9452	Entrez Gene	内在性膜タンパク質2A	35696_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.391	9.1974E-03
49	63928	Entrez Gene	肝細胞癌抗原遺伝子520	40775_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.392	3.3491E-03
50	5055	Entrez Gene	セルビンヘリカチセ阻害剤、クレドB(オボアルブミン)、シルバーヘリカチセ	40775_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.400	2.0273E-03
				33007_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.394	7.4079E-03
				33007_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.466	7.7206E-03
				37185_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.399	5.5226E-03

低下診断-表1

遺伝子番号	公開識別子	アーティス	遺伝子名	7ゴルジID	比較	倍率変化	P値
51	5354	Entrez Gene	プロテオリピドタンパク質(ヘリコーカス・マルハンドヘル病、症性対麻痺2型、単純性)	41158_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.403	1.1357E-04
52	642	Entrez Gene	ブロマイシン加水分解酵素	41158_at	Day 7_Intra/ Day 0_Intra	0.503	1.7500E-03
53	10443	Entrez Gene	仮想遺伝子CG0112	41158_at	Day 0_Perf / Day 0_Control	0.544	4.8797E-03
54	224	Entrez Gene	アルデヒド脱水素酵素3アミニメタバ-A2	40409_at	Day 3_Perf / Day 0_Perf	0.715	7.5707E-03
55	90634	Entrez Gene	仮想遺伝子CG0118	394_at	Day 3_Perf / Day 3_Control	0.404	6.9138E-03
56	1675	Entrez Gene	補体因子D(アシピン)	1532_g_at	Day 0_Perf / Day 0_Control	0.406	9.9564E-04
57	23242	Entrez Gene	コレクション・ブル・ホモジン(マウス)	40242_g_at	Day 3_Perf / Day 0_Perf	0.660	4.1852E-03
58	10158	Entrez Gene	PDZK1結合タンパク質1	35669_at	Day 3_Intra/ Day 3_Control	0.410	5.0007E-03
59	10001	Entrez Gene	RNAポリメラーゼII転写マティエイタ-、サヌニウト6ホモログ(酵母)	35430_at	Day 3_Perf / Day 3_Control	0.410	5.4239E-03
60	97	Entrez Gene	アルホスフタセ1、赤血球型(一般型)	33334_at	Day 3_Intra/ Day 3_Control	0.414	5.3399E-03
61	M11119	GenBank	...	38830_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.417	3.3977E-03
62	9687	Entrez Gene	GREB1タンパク質	38875_r_at	Day 7_Intra/ Day 0_Intra	0.428	8.6745E-03
63	51097	Entrez Gene	サカロビン脱水素酵素(推定)	34863_s_at	Day 3_Perf / Day 3_Control	0.430	9.0435E-03
64	2217	Entrez Gene	IgGFc2リガンド、受容体、トランスポーター、α	34862_at	Day 7_Intra/ Day 0_Intra	0.680	6.5823E-03
				31431_at	Day 7_Perf / Day 7_Control	0.430	7.9132E-04

【 0 2 3 7 】

低下診断-表1

遺伝子番号	公開識別子	Entrez Gene	遺伝子名	アロ-7ID	比較	倍率変化	P値
65	1983	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子5	167_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.431	3.2376E-04
66	51601	Entrez Gene	リボ核酸転移酵素1	167_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.519	7.0199E-03
67	9145	Entrez Gene	シナフトキソ1	31441_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.432	3.4529E-03
68	1117	Entrez Gene	キチナーゼ3様2	35354_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.432	1.9735E-03
69	13	Entrez Gene	アリルアセトアミド脱アセチル酵素(エステラーゼ)	35354_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.459	5.7597E-03
70	2618	Entrez Gene	ホスホリボンキナーゼアミドホルミルランスクラーゼ、 ホスホリボンキナーゼアミドシテラーゼ、ホスホリボンキナーゼアミドシテラーゼ	36384_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.436	8.9104E-03
71	HG5570-HT377	The Institute for Genomic Research		936_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.437	1.3929E-04
72	53336	Entrez Gene	B細胞(CLL/lyn)腫11A(シク7バガーカバク質)	936_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.554	6.0851E-03
73	57793	Entrez Gene	GATAシク7バク質複合体1、γ2サブユニット	936_s_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.679	6.6192E-03
74	8906	Entrez Gene	アラブタバク質結合(アミオキシダーゼ(銅含有))	41395_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.438	5.3164E-03
75	26	Entrez Gene	アミロイド結合タバク質(アミオキシダーゼ)	34195_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.441	6.2766E-04
76	AL080082	GenBank	MRNA_cDNAKE2p564G1162 (クローフィーZp564G1162由来)	38798_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.441	6.9369E-03
77	9524	Entrez Gene	糖タンバク質、シナフス2	35381_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.444	9.2254E-03
78	91137	Entrez Gene	仮想タバク質BC017169	38986_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.444	3.9851E-03
79	56288	Entrez Gene	par-3バテイヨニング欠陥3ホモログ(C. elegans)	38986_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.530	1.4148E-03
80	26154	Entrez Gene	ATP結合カセット、サブアミリA(ABC1)、メンバ-12	37178_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.614	2.1060E-03
81	260294	Entrez Gene	ウリアムス'コーン症候群染色体領域20C	40973_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.451	2.5568E-03
				40973_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.533	5.0405E-03
				31754_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.453	4.6700E-03
				31754_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.557	5.7474E-03
				41258_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.453	3.7268E-03

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プローフID		比較	倍率変化	P値
				Day 3 Peri	Day 3 Extra			
82	1410	Entrez Gene	クリヌリュ、αB	32242_at	32243_q_at	0.451	8.8559E-03	
83	131544	Entrez Gene	仮想タンパク質DKF2p667/G2110	41274_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.463	5.9480E-03	
84	10738	Entrez Gene	ホロゲンセ4(ショガシヨカヒ)	41274_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.589	7.6530E-03	
85	89448	Entrez Gene	TSC22トメインアーリー・メハ-1	975_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.455	5.4586E-03	
86	10181	Entrez Gene	RNA結合モチーフタンパク質5	39032_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.455	4.3469E-03	
87	52644	Entrez Gene	フィノビルCoAヒドロキシラセ(レサム病)	1556_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.460	1.8275E-03	
88	10529	Entrez Gene	ホフレト	32274_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.465	1.4047E-03	
89	60481	Entrez Gene	EL0VLアミリダンバ-5-長鎖脂肪酸伸長(FEN1/Elo3、SUR4/Elo3様、酵母)	34873_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.466	5.5135E-03	
90	6924	Entrez Gene	転写伸長因子B(SII)、ホリベーチト3(110kDa、ID:NP_01)	33821_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.468	8.7794E-03	
91	10248	Entrez Gene	前駆体プロセシング7、リボヌクレアセラソサブユニット(S. cerevisiae)	32213_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.470	3.1906E-03	
92	1545	Entrez Gene	シトクロムP450、ケミリ-1、サフアミリB3、ボリヘプチド1	40071_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.471	9.8480E-03	
93	1152	Entrez Gene	クレチシナセ、脳	40863_r_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.472	4.0142E-03	
94	10450	Entrez Gene	ペプチジルアリリ異性化酵素E(シクロフリソE)	40863_r_at	Day 7 Peri / Day 7 Peri	0.507	3.2271E-04	
95	HG1112-HT111	The Institute for Genomic Research		34365_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.473	5.7231E-03	
96	10090	Entrez Gene	ウロニル2スルホラヌクレオフ	34365_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.518	4.1270E-03	
97	4129	Entrez Gene	モニアミ酸化酵素B	1839_at	Day 7 Peri / Day 3 Extra	0.638	2.8273E-03	
98	352961	Entrez Gene	MHCクラスI mRNAプロモーター3.8-1	1839_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.473	1.6274E-03	
99	10314	Entrez Gene	LANCランチビオティクシシタセ-成分C様1(細菌)	41858_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.474	9.8116E-03	
100	10628	Entrez Gene	チオドキシン結合タンパク質	41859_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.521	1.4198E-04	
				37628_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.475	8.4099E-04	
				34934_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.479	6.5297E-03	
				39441_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.482	2.7594E-03	
				39441_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.488	6.0119E-04	
				31508_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.482	9.0158E-03	

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	テータース	遺伝子名	アロ-7ID	比較	倍率変化	P値
101	8532	Entrez Gene	カルボキシペプチダーゼ2	37248_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.463	2.2125E-04
				37248_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.522	7.1260E-04
102	6038	Entrez Gene	リボヌクレアーゼ、RN7アセチル化-4	32664_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.483	2.7472E-03
				32664_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.589	4.9291E-04
103	10924	Entrez Gene	スフィンゴミエリホスホジエステラーゼ酸様3A	39960_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.635	5.8524E-04
	6474	Entrez Gene	セレブロインP、血漿、1 ヘテロ核RNAダバク質D様	34363_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.691	3.6796E-03
105	9987	Entrez Gene	RNA末端リン酸化クレセトマイン1	32393_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.483	8.6126E-03
106	8634	Entrez Gene	RNA末端リン酸化クレセトマイン1	35195_at	Day 3 Peri / Day 7 Extra	0.489	6.0390E-03
107	4163	Entrez Gene	大腸癌変異	35561_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.489	6.2800E-05
108	7262	Entrez Gene	ブレックトリノモロジ-オヌクレア-ノン-2	31888_s_at	Day 7 Peri / Day 3 Extra	0.490	4.0424E-03
109	26039	Entrez Gene	第18染色体滑膜肉腫転座遺伝子様1	31903_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.493	1.3274E-03
110	1525	Entrez Gene	コクサクキウイルス・アデノウイルス受容体	37534_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.493	7.3178E-03
111	2947	Entrez Gene	グルタチオンSトランスフェラーゼM3(脳)	1120_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.494	7.1503E-03
112	11072	Entrez Gene	二重特異性ホスファターゼ14	38272_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.494	1.4839E-03
113	6490	Entrez Gene	シルバーカモロク(マウス)	38327_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.497	4.4983E-04
114	3854	Entrez Gene	ヒトホモジンヨウショウカバ	38327_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.512	5.3933E-04
				35008_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.710	9.2062E-03
115	4176	Entrez Gene	MCM7ミニクロモソム維持欠陥(S. cerevisiae)	947_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.498	7.8436E-04
116	2197	Entrez Gene	普通性発現Finkelman-Reillyウイルス肉腫ウイルス (FBR-MuSV)(fox由来;リボソムダク質S30)	31955_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.498	6.3003E-03

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データリス	遺伝子名	アローピD	比較	倍率変化	P値
117	104	Entrez Gene	アデノシヌアミナセ、RNA特異的、B1(RED1ラバホモロフ)	38748_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.498	8.5077E-04
118	4898	Entrez Gene	ナルシジン(二塩基性Nアルキニン変換酵素)	38748_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.541	1.9004E-03
119	6662	Entrez Gene	SRX((性染色定領域Y)ホツクス9(屈曲肢異形成症、常染色体逆性)	34787_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.499	2.6275E-03
120	2114	Entrez Gene	v-ets赤芽球症ケイルスE26癌遺伝子ホモログ2(トト)	33436_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.500	5.3219E-03
121	1158	Entrez Gene	クリアチンキナーゼ、筋肉	38739_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.501	4.4662E-03
122	9831	Entrez Gene	シンクレイン・タバク質623	32485_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.501	6.1425E-03
123	1573	Entrez Gene	シトクロムP450、アミノ2、サブファミリー、ホリヘブチト2	39954_f_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.505	3.3609E-03
124	22982	Entrez Gene	KIAA0934	501_0_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.505	2.0051E-03
125	51710	Entrez Gene	シンクレイン・タバク質44(KOX7)	33408_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.506	3.1621E-03
126	2533	Entrez Gene	FYN結合タバク質(FYB-120/130)	35409_f_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.507	5.1572E-03
127	9857	Entrez Gene	中心体結合タンパク質350	41619_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.507	3.0115E-03
128	9891	Entrez Gene	NUAK77(リードSNF1様キナーゼ)	33805_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.508	4.3400E-05
129	9833	Entrez Gene	母体胎芽ロイシン・ハ・キナーゼ	33757_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.508	1.4528E-03
130	U18300	GenBank	損傷特異的DNA結合タンパク質2、48kDa//LIMホモホツクス3	38847_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.510	9.6404E-03
				1243_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.511	4.6848E-04
				1243_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.556	6.7443E-03
				1243_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.749	8.6022E-03
131	23051	Entrez Gene	シンクレイン・およびホモホツクス3	40461_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.513	6.7006E-04
				40461_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.609	6.3269E-03
132	51706	Entrez Gene	シンクレイン・タバク質1	40461_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.738	3.2244E-03
				35329_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.513	1.8894E-03

低下診断-表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローフID	比較		P値
					Day 7 Intra / Day 7 Extra	Day 7 Intra / Day 7 Peri	
133	3422	Entrez Gene	イソヘキテニル2リ酸△イソメラセ'	36985_at	0.515	5.4407E-03	
134	7726	Entrez Gene	シクフィンガーナバク質175	37500_at	0.515	4.1955E-03	
135	36	Entrez Gene	アルCoA δ ヒドロゲナーゼ、短鎖・分枝鎖	40673_at	0.515	1.3679E-03	
136	20193	Entrez Gene	上皮膜タンパク質2	39631_at	0.517	3.1103E-03	
137	81563	Entrez Gene	第1染色体オーフンティングル-421	39631_at	0.629	5.1967E-04	
138	1638	Entrez Gene	ドバクロム互変異性酵素 (トバクロムデルタメラセ、チロシン関連タンパク質2)	41679_at	0.517	1.2344E-03	
139	10955	Entrez Gene	アルCoAオキスラセ'2	41679_at	0.607	8.6951E-03	
140	10284	Entrez Gene	Sin3結合ポリペプチド、18kDa	41182_at	0.518	2.7300E-05	
141	57613	Entrez Gene	KIAA1467タンパク質	41182_at	0.596	1.9071E-04	
142	2647	Entrez Gene	リソーム関連カルボキネラ结合体1、サブニト外1の生成	36625_at	0.518	7.3351E-04	
143	7073	Entrez Gene	TIA1細胞傷害性顆粒結合RNA結合タンパク質	41277_at	0.620	2.4318E-03	
144	AF096870	GenBank	3要素モノマー含有16//3要素モチーフ含有16類似 エストロゲン応答DNA結合タンパク質	41826_at	0.520	5.9389E-03	
145	8853	Entrez Gene	増殖・分化促進因子2	39133_at	0.520	1.5729E-03	
146	4968	Entrez Gene	8-オキシアニンDNAクリシラセ	41761_at	0.521	4.5836E-03	
147	2110	Entrez Gene	電子伝達フラボタンパク質ヒドロゲナーゼ	38881_at	0.521	1.0549E-04	
148	4713	Entrez Gene	NADH δ ヒドロゲナーゼ(ヒビキソ)1 β サブユニット	38410_at	0.521	1.8840E-03	
			7,18kDa	38335_at	0.522	2.9980E-03	
				38335_at	0.626	7.5886E-04	
				38335_at	0.759	6.6349E-03	
				38335_at	0.523	8.2179E-03	
				38335_at	0.523	1.1689E-03	
				38335_at	0.748	5.4735E-03	
				38335_at	0.791	1.2691E-03	
				38335_at	0.526	3.2907E-04	
				38335_at	0.596	1.5417E-03	

(44)

JP 2010-502177 A 2010.1.28

【 0 2 4 2 】

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	7D-7ID		比較	倍率変化	P値
				Day 0 Peri	Day 0 Control			
150	771	Entrez Gene	炭酸脱水酵素XII	36154_at		0.528	3.3461E-03	
				36275_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.650	2.8445E-03	
151	55187	Entrez Gene	液胞タハク質ソティング13D(酵母)	32743_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.527	2.6585E-03	
				32743_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.619	1.6261E-03	
152	498	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロト輸送性、ミコトリヤF1複合体、αサブユニット、アシフォーム1、心筋	40096_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.772	6.0079E-03	
				40096_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.527	6.5302E-03	
153	9140	Entrez Gene	ATG12+4+7-関連12ホモジン(S. cerevisiae)	32720_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.530	2.7881E-04	
				32720_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.530	9.3336E-03	
154	242	Entrez Gene	アラキドン酸12-リポキシナーゼ、12R型	33029_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.531	5.3954E-03	
				33029_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.533	6.1850E-03	
155	23506	Entrez Gene	KIAA0240	38882_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.531	5.3954E-03	
				38882_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.533	6.1850E-03	
156	5985	Entrez Gene	複製因子C(活性化因子)15, 36.5kDa	655_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.531	5.3954E-03	
				655_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.533	6.1850E-03	
157	26610	Entrez Gene	伸長タハク質4ホモジン(S. cerevisiae)	38347_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.533	6.3391E-03	
				38347_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.533	6.3391E-03	
158	6595	Entrez Gene	SWI/SNF関連ストリックス結合、アケチノ依存性クロマチン調節因子、サフアミリオ、メハ-2	40361_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.533	6.2437E-03	
				40361_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.534	2.8151E-03	
159	5110	Entrez Gene	タハク質レジアスハラギン酸(D-アスパラギン酸)O-メチル基転移酵素	37738_q_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.678	3.6789E-03	
				37738_q_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.678	3.6789E-03	
160	113146	Entrez Gene	第14染色体オーブリーディングフレーム78	38497_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.535	3.4244E-03	
				38497_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.545	2.9700E-05	
161	201229	Entrez Gene	仮想タハク質LOC01229	36497_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.577	3.7100E-05	
162	22909	Entrez Gene	KIAA1018タハク質	39557_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.535	2.3943E-03	
163	51099	Entrez Gene	アブドローゼトマイン含5	36455_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.536	6.1231E-03	
164	114862	Entrez Gene	オキシドロール結合タンパク質様8	33309_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.536	9.8735E-03	
165	10124	Entrez Gene	ADPボル化因子様4	41438_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.536	3.0621E-03	
				33795_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.537	6.8833E-03	

低下診断-表1

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	7ローブID	比較	倍率変化	P値
166	10653	Entrez Gene	セリンペプチダーゼ阻害剤、ケニッツタ7 ^o 、2	34248_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.537	9.4449E-03
167	10434	Entrez Gene	リゾヌスホリハーゼ1	34248_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.573	7.9328E-03
168	399563	Entrez Gene	仮想タバク質FLJ43306	34248_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.699	5.3002E-03
169	123	Entrez Gene	脂肪分化関連タンパク質	36996_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.541	7.9687E-03
170	60308	Entrez Gene	Fad1、7-ヒドロキシジスカオチジテタセ、ホモログ(酵母)	37151_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.542	7.7014E-03
171	1662	Entrez Gene	DEAD(Asp-Glu-Ala-Asp)ホックスリペプチド10	34378_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.542	1.2441E-03
172	5130	Entrez Gene	リノ酸ジチルトルансフェラーゼ1、ヨリノ、α	39074_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.544	3.5087E-04
173	23345	Entrez Gene	スペクトリン反復含有、核膜1	39255_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.544	5.2356E-03
174	26235	Entrez Gene	Fホックスおよびロイシンリチリピタタンパク質4	39987_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.545	2.3355E-03
175	60208	Entrez Gene	仮想タバク質FLJ21439	40615_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.546	1.8607E-03
176	202	Entrez Gene	absent in melanoma 1	32112_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.547	3.2958E-03
177	9774	Entrez Gene	BCL2結合転写因子1	38050_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.617	5.1850E-03
178	5268	Entrez Gene	セルビンペプチダーゼ阻害剤、クレド日(オボアルブミン)、 メンハ-5	862_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.548	8.5245E-03
179	1474	Entrez Gene	シスタンE/M	862_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.576	5.9941E-03
180	9927	Entrez Gene	ミトシン2	31128_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Peri	0.549	1.9072E-03
181	4232	Entrez Gene	中胚葉特異的転写産物ホモログ(マウス)	31128_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.605	2.6588E-03
182	2145	Entrez Gene	zesteのエンハンサホモログ1(ショウジョウバエ)	34369_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.549	2.5016E-03
183	2859	Entrez Gene	基本転写因子IIb	34369_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.635	6.4361E-03
184	U73737	GenBank	...	37749_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.553	9.8929E-04

【 0 2 4 4 】

低下診断表

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
185	4736	Entrez Gene	リポソームタンパク質L10a	36795_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.555	7.2273E-04
				36796_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.592	1.4203E-03
				36796_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.622	0.0958E-04
				36795_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.668	3.0374E-03
				36795_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.783	1.0376E-03
				32618_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.557	3.0605E-04
186	644	Entrez Gene	ヒリヘルシンラクトガラセA	32618_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.620	3.2950E-04
				32818_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.877	7.9779E-03
				32618_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.702	5.1159E-03
187	9665	Entrez Gene	limkain b1	31936_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.558	3.7112E-03
188	3033	Entrez Gene	L-3セトロキシアルCoA脱ヒドロゲナーゼ、短鎖	38435_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.558	7.5277E-03
				35435_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.692	5.5220E-03
189	10300	Entrez Gene	カタニp80(WD反復含む)サブユニットB1	40976_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.559	9.1699E-03
190	55651	Entrez Gene	核小体タンパク質アミニアンバ-2 (H4ACA核小体低分子RNA)	41322_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.559	1.2634E-03
				41322_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.675	9.5475E-03
191	11336	Entrez Gene	SEC6様1(S. cerevisiae)	37597_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.580	4.7635E-03
				37597_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.565	9.8420E-04
192	7009	Entrez Gene	精業増強遺伝子転写産物(BAXインヒター)	33988_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.560	1.0937E-03
				33988_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.582	8.2347E-04
193	23107	Entrez Gene	ミコントリアリボソームタンパク質S27	39377_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.561	3.7750E-03
				39377_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.571	0.8956E-03
				39377_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.634	9.8004E-03
194	50	Entrez Gene	アコニタセ2、ミコントリア型 グルタミ酸デヒドロゲナーゼ1	160044_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.562	5.6984E-03
	2746	Entrez Gene	シクウカンタンパク質248	31691_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.563	6.9886E-03
	57209	Entrez Gene		35139_g_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.585	2.1978E-03
197	6477	Entrez Gene	セフン、インアセチアホモロゲ1(ヨウジヨウババ)	32161_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.565	2.6625E-13
198	6166	Entrez Gene	リポソームタンパク質L36a様	39856_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.568	7.8476E-03
199	7175	Entrez Gene	転座プロモータ領域(活性化したMET癌遺伝子への)	421_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.569	3.6359E-03

低下診断-表1

遺伝子番号	公開識別子	アドレス	遺伝子名	アロジID	比較	倍率変化	P値
200	8349	Entrez Gene	ヒストン2, H2be	333552_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.570	6.1256E-03
201	171546	Entrez Gene	第14染色体オフソーディングフレーム147	333552_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.617	5.0561E-03
202	10553	Entrez Gene	HIV-1 Tat結合タンパク質2, 30kDa	33399_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.571	4.6866E-03
203	115817	Entrez Gene	デヒドロゲナーゼ/レダクターゼ(SDR7アミノ)メンバー	33399_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.656	8.8382E-03
204	25613	Entrez Gene	ソチインクおよびアセチル構成成分50k-Eck ⁺ (<i>S. cerevisiae</i>)	39103_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.571	2.1724E-04
205	25963	Entrez Gene	DKFZP564G2022タンパク質	39103_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.592	1.8258E-03
205	1212	Entrez Gene	クラスリン、軽鎖ホリヘプチド(Lcb)	39103_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.601	5.7200E-03
207	1652	Entrez Gene	D-ドバクム互変異性酵素	374_f_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.573	7.7105E-03
208	27335	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3、サユニット12	31492_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.572	1.2889E-03
209	217	Entrez Gene	アルデヒド脱水素酵素2アミリ(ヒト)ア型	32747_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.574	7.4544E-04
210	10049	Entrez Gene	DnaE(Hsp40)ホモログ、サブファミリーB、メンバ-6	41234_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.741	2.4111E-03
211	8315	Entrez Gene	BRCA1結合タンパク質	41512_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.577	3.8743E-03
212	8623	Entrez Gene	アセチルセトニン-O-メチルtransferaseセタ様	41512_at	Day 3 Intra / Day 3 Pen	0.677	1.1128E-03
213	169811	Entrez Gene	オルファクトミン様2A	36553_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.578	7.0812E-04
214	11065	Entrez Gene	U11/U12snRNP35K	36553_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.710	1.0994E-04
215	9956	Entrez Gene	CD302抗原	38312_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.579	3.6248E-03
				41029_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.580	4.2488E-04
				41029_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.589	1.0146E-03
				34760_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.583	7.2521E-03
							5.4949E-04

【 0 2 4 6 】

低下診断-表1

遺伝子番号	公開識別子	チタリス	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
216	4729	Entrez Gene	NADHヒトロケナーゼ(コビキノリ)ラボタンバク質2、24kDa	34893_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.581	9.2931E-03
				34893_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.600	1.3243E-03
217	987	Entrez Gene	LPS応答性小胞輸送、ビチおよびアシカ-含有	35371_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.582	1.9359E-03
				35371_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.618	2.4693E-03
				35371_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.652	2.1271E-03
218	128	Entrez Gene	アルコールヒドロゲナーゼ5(クラスIII)、Xボリベブチ	37708_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.582	8.9780E-03
				37708_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.600	6.4350E-03
219	65055	Entrez Gene	第2染色体オ-ヌリテイ-クフレーム23	36596_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.583	2.9762E-03
				36596_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.583	3.0527E-03
220	7295	Entrez Gene	チオレドキシン	36592_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.583	4.8045E-03
				36592_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.673	6.5983E-03
221	5917	Entrez Gene	アルキニルtRNA合成酵素	549_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.584	
222	10980	Entrez Gene	COP9構成的光形態形成ホモログサブユニット6 (Arabidopsis)	40138_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.584	6.5665E-03
				40138_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.585	
223	26221	Entrez Gene	増殖停止特異的6	1597_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.669	5.8701E-03
				1597_at	Day 3 Intra / Day 0 Peri	0.669	5.3045E-04
224	831	Entrez Gene	カルバストン	41237_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.585	
				41237_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.700	3.4819E-03
225	59227	Entrez Gene	十文字、ATGチ相互通作メイナRBBP2様	1785_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.585	3.1353E-03
				1785_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.585	
226	2824	Entrez Gene	精ダハク質M6B	37251_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.586	8.6602E-03
				37251_s_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.587	2.1268E-03
227	1153	Entrez Gene	低温誘導性RNA結合タンパク質	39884_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.611	6.9554E-03
				39884_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.585	8.3451E-04
228	645	Entrez Gene	ビリルジルタクセB(ラジカルタクセ(NADPH))	37002_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.589	
				37002_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.589	9.2856E-03
229	8581	Entrez Gene	リバ球抗原6複合体、D遺伝子座	36264_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.590	8.4664E-03
				36264_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.590	4.0159E-04
230	A8006780	GenBank	レクチンガラクトシド結合性、可溶性、3(ガレチン3)///ガレチン3内在遺伝子	35367_at	Day 3 Intra / Day 0 Peri	0.590	8.3297E-03
				35367_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.683	
231	6929	Entrez Gene	転写因子3(E2A免疫グロブリンエンハンサー結合因子E12/E47)	1373_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.590	2.7482E-03
				1373_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.738	3.1310E-04

低下診断-表1

(50)

JP 2010-502177 A 2010.1.28

遺伝子番号	公開識別子	テキサス	遺伝子名	プロ-ID	比較	倍率変化	P値
232	10476	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、ミトコンドリアF0複合体、サブユニットd	35760_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.590	1.5912E-03
				35760_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.738	8.9277E-03
233	7022	Entrez Gene	転写因子AP-2γ (活性化エンハンサ結合タンパク質2γ)	40303_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.591	7.9662E-03
234	2806	Entrez Gene	グルタミン酸リキナーゼ酵素アミ基転移酵素2、ミトコンドリア型アスパラギン酸アミ基転移酵素2	40764_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.591	2.0500E-03
				32586_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.591	3.7384E-03
235	23185	Entrez Gene	Lal1:核タンパク質ドメインアミリド、メソバ-5	32586_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.686	8.4165E-04
				32586_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.782	5.1659E-03
236	HG3254-HT343	The Institute for Genomic Research		1163_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.591	5.8755E-03
237	708	Entrez Gene	補体成分1、αサコンポネント結合タンパク質	37668_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.591	6.3705E-03
238	81875	Entrez Gene	シタ-フロント活性化エキソクラーゼ遺伝子20kDa様2	40946_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.593	3.2988E-03
239	A1032612	GenBank	エラーゼ1、(α)///核内低分子リボヌクレオタンパク質 ホリベーフチトフ	41403_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.593	2.1695E-03
240	26040	Entrez Gene	SET結合タンパク質1	41403_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.674	9.8788E-04
				34990_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.593	3.4533E-04
				34990_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.711	8.8766E-03
241	8673	Entrez Gene	小胞結合膜タンパク質8(エンドツビル)	32715_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.593	2.2624E-03
242	23353	Entrez Gene	unc-84ホモログ (C. elegans)	32715_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.628	1.3473E-03
				36568_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.594	2.9354E-03
243	4255	Entrez Gene	O-6-チタクアニン-DNAメチルトランスフェラーゼ	2051_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.594	5.4697E-03
244	6670	Entrez Gene	Sp3転写因子	41573_at	Day 3 Intra / Day 7 Extra	0.594	6.5653E-03
245	6249	Entrez Gene	レスチン(Reed-Steinberg細胞発現中間径 フィラメント結合タンパク質)	34350_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.595	8.1420E-03
				33916_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.595	3.7132E-03
				33916_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.647	6.0432E-03
246	11188	Entrez Gene	nischarin	40268_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.595	5.8255E-03
247	2356	Entrez Gene	FOS様抗原2				

低下診断表1

(51)

JP 2010-502177 A 2010.1.28

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	アローフォトID	比較	倍率変化	P値
248	2547	Entrez Gene	チムニースカルマ7タ細胞における修復欠陥を補完するX線修復6(Ku自己抗原、70kDa)	32765_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.597	8.7735E-04
249	545	Entrez Gene	毛細血管拡張運動失調症およびRad3関連	37229_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.597	5.6B22E-03
250	4775	Entrez Gene	活性化T細胞核因子、細胞質性、カルシコリ依存性3	40822_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.597	3.4027E-03
251	8776	Entrez Gene	ミオチューブulin関連タンパク質1	40823_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.633	7.3198E-03
252	4790	Entrez Gene	B細胞のKappaホリヘブチド遺伝子エンハンサ-0の核因子1(p105)(p105)	1378_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.598	6.5881E-03
253	AL080234	GenBank	ホモ・セビエンスヒトの胎児肝臓の完全長cDNAクローニングCS0DM001YA04	38070_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.598	7.6400E-03
254	26135	Entrez Gene	SERPINE1 mRNA結合タンパク質1	40440_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.599	4.0826E-03
255	23234	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ、サブファミーC、メンバ-9	41569_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.727	7.7405E-03
256	94238	Entrez Gene	ヒストリカ2Aファミリー、メンバ-4	39046_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.599	4.9293E-03
257	AI557912	GenBank	ミコンドリア外膜タンパク質LOC201725 //版権タンパク質	39025_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.650	8.2268E-03
258	4437	Entrez Gene	mutSホモログ3(大腸菌)	39025_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.716	2.2149E-03
259	3650	Entrez Gene	IKKサイカクン、HLAII型カルキレタ-	1719_at	Day 7 Peri / Day 3 Extra	0.727	5.2071E-03
260	5453	Entrez Gene	POUトメイン、クラス3、転写因子1	218_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.793	1.0424E-03
				33675_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.603	6.7925E-03
						0.606	4.9835E-04
						0.606	4.5158E-03

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	Entrez Gene	遺伝子名	アローフID	比較	倍率変化	P値
261	6551	Entrez Gene	SONDNNA結合タババク質	39056_at 39056_at 39056_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra Day 7 Intra / Day 7 Peri Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.607 0.641 0.710	3.4000E-03 4.2992E-03 4.2168E-03
262	353	Entrez Gene	アデニンヌホリボンヌルトランヌフラセ	34310_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.607	7.6231E-03
263	6427	Entrez Gene	スプライシング因子、アルギニン/セリンリッチ2	34310_at 36111_s_at 36111_s_at 36111_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra Day 7 Peri / Day 7 Extra Day 7 Intra / Day 7 Extra Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.619 0.607 0.665 0.709	3.4883E-03 1.0792E-03 1.5173E-04 6.0916E-03
264	221749	Entrez Gene	第6染色体オーブンテイクフレーム145	34246_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra Day 3 Peri / Day 3 Control	0.608 0.608	3.0829E-03 1.1934E-04
265	79703	Entrez Gene	仮想タババク質FLJ22531	41804_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.609	2.6811E-03
266	27292	Entrez Gene	シテルアラジントンヌフラセ	39883_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.610	7.8572E-04
267	54665	Entrez Gene	円形精子細胞塩基性タババク質1	37828_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.626	4.8045E-03
268	513	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、ミコントリアF1複合体、δサブユーツ	37992_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.611	5.2111E-03
269	AL050091	GenBank	グルミン酸受容体、イオンチャネル型、N-メチル-D-アスパラギン酸様1A//GRIN1A結合タンパク質//グルミン酸受容体、イオンチャネル型、N-メチル-D-アスパラギン酸様1B//GRIN1B結合タンパク質類似	35736_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.611	4.7952E-03
270	3301	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ、サブファミリーA、メンバ-1	39118_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.611	5.7425E-03
271	9349	Entrez Gene	リボソムタババク質123	32395_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.611	2.2008E-03
272	22826	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ、サブファミリーC、メンバ-8	36166_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.612	5.7794E-03
273	23090	Entrez Gene	シングルタンパク質423	34850_at 34850_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.613 0.623	2.6182E-04 7.6235E-03
274	64112	Entrez Gene	アボトシスモジュラー-1	34767_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.614	4.4658E-03
275	10497	Entrez Gene	unc-13ホモログB(C. elegans)	40087_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.614	3.7491E-03
276	56967	Entrez Gene	第14染色体オーブンテイクフレーム132	41637_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.789	3.3534E-03
				41637_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.614 0.660	6.2326E-04 1.7553E-03

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	テキスト	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
277	8560	Entrez Gene	変性精娘細胞ホモログ1、脂質デサチュラーゼ ^(ショウジョウカハ)	33337_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.614	8.5255E-03
278	10975	Entrez Gene	ユピキナルートクロムc選元酵素、6.4kDaサブユニット	33337_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.626	3.0395E-03
279	10641	Entrez Gene	癌抑制遺伝子候補4	38451_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.690	1.2271E-03
280	8663	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3、サブユニット8、110kDa	40487_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.614	8.2100E-05
281	50717	Entrez Gene	WD反復ドメイン42A	40487_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.655	9.7424E-03
282	23392	Entrez Gene	KIAA0368	39823_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.616	1.1667E-04
283	5834	Entrez Gene	網膜芽細胞腫様2(p130) 核因子1/B	34414_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.616	9.4126E-03
284	4781	Entrez Gene	3要素モチーフ含有29	32597_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.644	5.3735E-03
285	23650	Entrez Gene		41229_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.616	8.7510E-03
286	8665	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3、サブユニット5(プロ)、47kDa	40898_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.617	3.0139E-03
287	7203	Entrez Gene	シャペロニン含有TCP1、サブユニット3(γ)	32576_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.617	4.1860E-03
288	3418	Entrez Gene	イクエン酸脱水素酵素2(NADPH)、ミコドリ亞型	40774_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.617	6.5552E-03
289	9	Entrez Gene	N-アセチルトランスクルセチンアセチルトランスクルセチ	32332_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.617	1.2980E-03
290	25797	Entrez Gene	グルタミニルペプチドシクロランスフェラーゼ ^(グルタニルジクラーゼ)	38187_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.619	5.7524E-03
291	5092	Entrez Gene	6ヒルボイルチオヒドロアリル含成酵素/肝細胞核 因子1α二量体化補因子(TCF1)	35965_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.663	6.8919E-03
292	7818	Entrez Gene	細胞死関連タンパク質3	34357_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.620	4.9522E-03
				34352_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.704	2.4354E-03
				1556_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.621	1.4788E-03

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	アローフID	比較	倍率変化	P値
293	U05861	GenBank	アルカルゲン元酵素アミリ-1、アルカ-1 (シルビオル脱水素酵素1:20- α (3- α)- ヒドロキシエロド脱水素酵素) //アルト-カル元 酵素アミリ-	32805_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.621	6.7226E-03
294	23063	Entrez Gene	KIAA0261	40086_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.623	5.5939E-03
295	9529	Entrez Gene	BCL2関連アタジン-5	36463_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.624	7.6918E-03
296	57147	Entrez Gene	SCY1様(S. cerevisiae)	41329_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.624	2.9063E-03
297	8888	Entrez Gene	MCM3に染色体維持酵3(S. cerevisiae) 関連タハク質	40469_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.624	4.8160E-03
298	10289	Entrez Gene	翻訳開始因子suiホエグ	33351_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.624	5.2711E-04
299	9536	Entrez Gene	プロスタグランジンE合成酵素	33351_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.673	1.7268E-03
300	22983	Entrez Gene	カルシシテニン1	35131_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.626	9.0721E-03
301	7520	Entrez Gene	チャニースカルミスタ細胞における修復欠陥を 補完するX線修復5(二本鎖切断修復; Ku自己抗原、80kDa)	2093_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.627	1.0646E-03
302	24139	Entrez Gene	棘皮動物微小管結合タンパク質様2	38733_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.644	9.6568E-03
303	4928	Entrez Gene	ヌクレオボリソナ98kDa	41328_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.627	4.4037E-03
304	3290	Entrez Gene	ヒドロキシエロド(11- β)脱水素酵素1	35911_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.627	2.3405E-03
305	23351	Entrez Gene	KIAA0323	35702_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.628	6.5442E-03
306	2065	Entrez Gene	v-erb-b2赤芽球性白血病ウイルス癌遺伝子 ホエグ3(ヒリ)	32692_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.628	8.9436E-04
307	10217	Entrez Gene	CTDカルボキシ末端トメイン、RNAトリメラセII、 ボリハブチ(A)ヌクレオフタセ様	3089_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.679	8.2136E-03
308	23656	Entrez Gene	LSM5ホエグ、U6核内低分子RNA結合(S. cerevisiae)	32787_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.629	5.0250E-03
				40196_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.677	7.5081E-03
				40196_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.735	2.0122E-03
				40196_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.770	5.2302E-03
				34270_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.631	1.9266E-03

【 0 2 5 3 】

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロ-ゲンID	比較	倍率変化	P値
309	W20946	GenBank	完全長イサ+cDNA YH77E09	37161_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.631	4.5494E-03
310	22903	Entrez Gene	BTB(PoZ)ドメイン含有3	37161_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.640	6.9170E-03
311	4681	Entrez Gene	神經芽細胞腫、腫瘍抑制1	37005_at	Day 3 Intra / Day 0 Peri	0.631	9.7703E-03
312	10301	Entrez Gene	リバ+性白血病欠失1	37005_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.642	1.7449E-03
313	AF052138	GenBank	FLJ35348///プロモトメイン含有3	37091_at	Day 3 Peri / Day 0 Intra	0.695	2.4042E-03
314	6209	Entrez Gene	FLJ35348///プロモトメイン含有3	37091_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.631	8.9985E-03
315	6930	Entrez Gene	カルボキシエステラーゼ2(腸、肝臓)	37091_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.726	6.7457E-03
316	8824	Entrez Gene	カルボキシエステラーゼ2(腸、肝臓)	41841_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.632	4.2490E-03
317	10561	Entrez Gene	小胞体タック質29	39816_r_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.633	1.4145E-03
318	7265	Entrez Gene	トリコペプチド反復ドメイン	39816_r_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.575	7.7101E-03
319	1428	Entrez Gene	クリスピリソ、ム	39845_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.634	3.7388E-03
320	10614	Entrez Gene	ヘキサチレビンアミド誘導1	39845_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.635	9.8601E-03
321	6128	Entrez Gene	リボンタック質L6	39845_at	Day 7 Peri / Day 7 Intra	0.635	9.2309E-04
322	5245	Entrez Gene	プロヒビチン	39845_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.636	7.5603E-03
323	9296	Entrez Gene	ATPアセチルトロン輸送型、リツーム型14kDa、V1サブユニット	40220_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.636	1.2448E-03
324	1340	Entrez Gene	トクロムcオキシダーゼサブユニットVbホリベブチド1 (ヒドロ)	39952_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.637	8.7697E-03
325	1881	Entrez Gene	エノイルCoA加水酵素1、ペルオキシソーム型	39952_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.637	3.4444E-03
326	1632	Entrez Gene	トコセチルCoAδ異性化酵素(3,2トクシエノイルCoA異性化酵素)	37395_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.638	2.2448E-03
327	1933	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1β2	37395_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.840	4.0330E-03
				40872_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.638	1.3105E-03
				40872_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.698	6.3894E-03
				37982_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.639	2.3722E-03
				37982_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.538	8.7097E-03
				35748_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.659	7.6255E-04

低下診断-表1

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
329	5141	Entrez Gene	リボソームタンパク質L18	31546_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.639	6.9963E-03
				31546_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.691	6.7124E-03
				31546_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.760	9.8180E-03
329	4026	Entrez Gene	好ましい転座バナナを含有する脂肪腫LIMトメイン	41195_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.639	3.3595E-03
330	6955	Entrez Gene	t複合体1	34791_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.640	3.7040E-03
331	29760	Entrez Gene	B細胞リカーバー	38242_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.640	7.2677E-04
332	573	Entrez Gene	BCL2関連アタシジ	34798_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.642	4.4022E-03
333	2709	Entrez Gene	キヤフジヤクゴンタンバク質、β5(コキシソル31.1)	38903_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.643	1.7967E-03
334	6230	Entrez Gene	リボソームタンパク質S25	31573_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.643	9.4033E-03
335	11083	Entrez Gene	細胞死関連転写因子1	32045_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.644	6.8658E-03
336	10247	Entrez Gene	熱応答性タンパク質12	32173_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.645	6.3867E-03
337	27057	Entrez Gene	人胎ウエル RNA結合タンパク質、ホエイ2(ショジョウカハ)	38341_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.659	6.9500E-03
338	889	Entrez Gene	サイクリンF	35907_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.645	8.2036E-03
339	HG162	The Institute for	人胎ウエル RNA結合タンパク質、ホエイ2(ショジョウカハ)	1278_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.647	6.0118E-03
340	HT3165	Genomic Research	リボソームタンパク質L17	32240_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.647	6.1617E-03
	6139	Entrez Gene		40887_5_at	Day 7 Intra / Day 3 Extra	0.646	8.5538E-03
				40887_5_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.697	4.8666E-04
				40887_5_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.718	6.3530E-03
341	9521	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1ε1	39219_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.647	1.9628E-03
				39219_at	Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.647	1.0916E-03
				39219_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.648	5.7580E-03
342	1054	Entrez Gene	CCAAAT/エヌハンサ結合タンパク質(C/EBP)	39219_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.676	1.0916E-03
343	7739	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3.サブエコ7ζ, 66/67kDa	35298_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.649	2.0180E-03
				35298_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.651	3.7380E-03
				35298_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.651	6.9801E-03
344	8664	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3.サブエコ7ζ, 66/67kDa	31921_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.651	8.1132E-03
345	57448	Entrez Gene	WD反復ドメイン18	31921_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.652	2.1176E-03
346	6187	Entrez Gene	リボソームタンパク質S2	31927_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.651	6.9801E-03
				31927_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.653	5.6656E-03
347	11079	Entrez Gene	小胞体におけるRER1保留下部	41551_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.651	
			(<i>S. cerevisiae</i>)				
348	26211	Entrez Gene	嗅覚受容体、アミリ-2, サブアミリ-2, メンバー	31921_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.652	
349	6206	Entrez Gene	リボソームタンパク質S12	39177_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.652	2.4740E-03
350	9796	Entrez Gene	KIAA0174	36942_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.653	5.6656E-03

低下診断-表1

遺伝子番号	公開識別子	テリース	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
351	132556	Entrez Gene	転写因子BTTF3ホモログ類似3	34519_1_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.653	9.2891E-03
352	8732	Entrez Gene	RNAウニトリルトランスクレオセ'および5'ホスファタセ	35202_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.654	1.2688E-03
353	4070	Entrez Gene	腫瘍関連カルシウムチャネルアンスティーザ-2	291_5_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.654	9.5683E-03
354	7152	Entrez Gene	トキ"イ"マラセ'(DNA)遺伝子2	291_8_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.655	8.7414E-03
355	4615	Entrez Gene	骨髓系分化一次応答遺伝子(88)	31680_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.654	8.0454E-03
356	51557	Entrez Gene	TRAFおおよびTNF受容体結合タンパク質	34825_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.654	5.5186E-03
357	8377	Entrez Gene	トクロムオキシダーゼサブユニットVa ヒキノルントクロムオキシダーゼ元 ^元 酵素、 リスチウム黄ボリヘアブリ	41223_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.655	3.0500E-05
358	7386	Entrez Gene	NAD(P)H脱水素酵素、キノン2	34401_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.656	7.0969E-03
359	4835	Entrez Gene	熱ショック転写因子2	36880_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.657	5.8169E-03
360	3298	Entrez Gene	熱ショック転写因子2 アスパラギニルtRNA合成酵素	202_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.658	7.1609E-03
361	4677	Entrez Gene	KIAA0376タンパク質	41241_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.658	3.0519E-03
362	HG1950-1	HT232 The Institute for Genomic Research	ポリメラセ(DNA指向性)、ε 3(p17サ'ユニア)	956_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.658	8.0238E-03
363	23394	Entrez Gene	KIAA0376タンパク質	34837_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.659	2.3071E-03
364	54107	Entrez Gene	核内低分子リボヌクレオタンパク質ポリヘプチドE	38702_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.660	3.6355E-03
365	6635	Entrez Gene	ClpPカセイン分解ペプチダーゼ、ATP依存性、 タンパク質分解酵素ユニットホモログ(大腸菌)	34679_9_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.661	3.7759E-04
366	8192	Entrez Gene	LSM7ホモログ、U6核内低分子RNA結合(S. cerevisiae)	32528_at	Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.697	1.8800E-05
367	51690	Entrez Gene	RNA結合モチタンパク質4	35846_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.662	7.3475E-03
368	5936	Entrez Gene	RNA結合モチタンパク質4	35351_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.662	8.8105E-04
369	7004	Entrez Gene	TEADメノフミリゾバ-4	41037_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.662	1.3875E-03
370	3094	Entrez Gene	ヒスチシン三連残基ヌクレオチド結合タンパク質1	1009_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.662	6.4188E-04
				1009_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.704	8.1604E-03

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
371	4832	Entrez Gene	非転移性細胞3、発現タンパク質	197_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.663	6.9663E-03
372	10557	Entrez Gene	リボヌクレオツド/MRP38kDaサブユニット	41040_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.663	2.3436E-03
373	26156	Entrez Gene	リボソーム1トメイン含有1	41040_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.667	4.5174E-03
374	6122	Entrez Gene	リボソームタンパク質L3	39418_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.664	2.4392E-03
375	6176	Entrez Gene	リボソームタンパク質、 α -1、P1	39418_at	Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.691	5.8288E-03
376	26653	Entrez Gene	自閉症感受性候補2	39418_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.730	4.3297E-03
377	56339	Entrez Gene	メチルトランスフェラーゼ様3	31722_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.665	8.4932E-03
378	10014	Entrez Gene	ヒストダテアセチラーゼ5	31722_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.792	9.5624E-03
379	10610	Entrez Gene	ST6(α-N-アセチル-β-イミニル-2,3-β-ガラクトル-1,3)-N-アセチルガラクトサミド- α -2,6-シリルラヌスフルーザセ2	34693_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.667	3.7416E-03
380	HG662-HT662	The Institute for Genomic Research	—	1161_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.669	3.9340E-04
381	10694	Entrez Gene	シャヘロニン含有TOP1、サブユニット8(θ)	39767_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.669	4.8792E-03
382	10038	Entrez Gene	ポリ(A)リボースポリメラセファミリー、メンバ-2	34736_q_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.669	7.1429E-03
383	4856	Entrez Gene	腎芽細胞腫過剰発現遺伝子	39250_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.670	5.1134E-03
384	9314	Entrez Gene	クリップヘル様因子4(消化管)	36214_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.670	7.5246E-03
385	4694	Entrez Gene	NADH-ビオロゲナセ(ユビキノン)1a サブコンプレックス、1.75kDa	36169_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.671	5.9310E-04
386	10904	Entrez Gene	膀胱癌関連タンパク質	36169_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.672	2.1451E-03
387	7411	Entrez Gene	フォンビンヘルリントウ結合タンパク質1	171_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.672	4.1112E-03
388	10632	Entrez Gene	ITGB3iL結合タンパク質(スドールイメラセ)	32636_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.672	3.7237E-03

低下診断-表1

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
389	8867	Entrez Gene	真核細胞転写開始因子3、サブユニット3 Y、40kDa	35327_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.672	5.0860E-03
390	1349	Entrez Gene	シトクロムcオキシダーゼサブユニットVIIb	36887_at	Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.673	1.8885E-03
391	54462	Entrez Gene	KIAA1128	37617_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.674	5.5416E-03
392	80003	Entrez Gene	pecanex伴2(ショウジョウカバエ) unc-50ホモログ (C. elegans)	39850_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.696	9.3133E-03
393	25972	Entrez Gene	unc-50ホモログ (C. elegans)	39442_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.674	6.1109E-03
394	64795	Entrez Gene	仮想カバク質FLJ13910	36580_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.675	9.6835E-03
395	5441	Entrez Gene	ポリラセ (RNA)(DNA)指向性ポリラセドL7.6kDa	35841_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.675	3.2610E-03
396	2146	Entrez Gene	zeste同型エハササ2(ショウジョウカバエ)	37305_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.676	2.4659E-03
397	7743	Entrez Gene	シソクバニガーダンバク質189	37305_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.701	9.0063E-03
398	2950	Entrez Gene	グルタチオントランスフェラーゼγ	36072_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.676	3.7246E-03
399	50813	Entrez Gene	COP9構成の光形態形成ホモログサブユニット7A (Arabidopsis)	33296_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.679	6.0265E-03
400	3156	Entrez Gene	3-セチロキシ-3-メチルカルリル-CoA還元酵素	34404_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.681	5.6094E-03
401	6155	Entrez Gene	リボノームタンバク質L30	31708_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.682	4.7648E-03
402	5116	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトアーリF0複合体、サブユニットc(サブユニット9)、アイローム1	38076_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.682	3.2512E-04
403	9128	Entrez Gene	PRP4mRNA前駆体プロセシング因子4ホモログ(酵母)	37336_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.682	1.2100E-03
				37336_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.809	4.3686E-03
404	3028	Entrez Gene	ヒドロキシアルCoA脱水素酵素、II型	40778_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.683	9.5528E-03
				40778_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.687	5.4894E-03
405	2951	Entrez Gene	基本転写因子IIIc、ポリヘプチド2、β34kDa	37295_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.683	5.1041E-03
406	10659	Entrez Gene	EBNA1結合タンバク質2	37295_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.796	1.4862E-03
407	6748	Entrez Gene	シグナル配列受容体、δ(ランスロコン関連タンバク質5)	36135_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.683	7.3375E-03
				36135_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.684	3.2000E-03

遺伝子番号	公開識別子	Entrez Gene	遺伝子名	プロファイル	比較	倍率変化	P値
408	4610	Entrez Gene	v-myc骨髓芽球症ウイルス癌遺伝子ホモジン1、肺癌由来(r)	1490_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.684	2.9494E-04
409	4170	Entrez Gene	骨髓性細胞白血病配列1(BCL2関連)	277_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.684	8.6905E-03
410	23075	Entrez Gene	SWAP-70タンパク質	31869_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.684	5.9966E-03
411	1537	Entrez Gene	シクロルc-1	1160_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.685	9.9616E-03
412	6768	Entrez Gene	腫瘍抑制14(結腸癌、マトリプターゼ、ヒト)	35309_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.685	2.8284E-03
413	6138	Entrez Gene	リボソームタンパク質L15	32433_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.686	4.8021E-03
414	23112	Entrez Gene	リヌクルオキナ反復含有6B	37487_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.686	3.9819E-03
415	64976	Entrez Gene	ミコンドリアリポソームタンパク質L40	32745_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.686	7.4413E-03
416	10420	Entrez Gene	精巢特異的キナセ2	33164_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.686	8.0384E-03
417	9759	Entrez Gene	ヒストニアセチラーゼ4	38271_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.689	4.9833E-03
418	4676	Entrez Gene	ヌクレオソーム集合タンパク質1様4	38271_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.776	6.2327E-03
419	5425	Entrez Gene	ホリオラセ(DNA指向性)、δ2、新御サユニア50kDa	32375_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.689	7.9860E-05
420	6390	Entrez Gene	コハク酸脱水素酵素、サブユニットB、鉄硫黄(ip)	35751_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.790	4.9890E-03
421	162	Entrez Gene	アダブタ-開連タンパク質複合体1、β1サブユニット	1470_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.689	9.3028E-03
422	1749	Entrez Gene	アダブタ-開連タンパク質複合体1、β1サブユニット	40745_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.689	5.7655E-03
423	6749	Entrez Gene	コハク酸脱水素酵素、サブユニットB、鉄硫黄(ip)	41087_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.689	3.8526E-03
424	4134	Entrez Gene	ヒストニアセチラーゼ5	37739_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.690	4.8988E-03
425	6832	Entrez Gene	構造特異的認識タンパク質1	38850_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.690	9.2919E-04
426	10939	Entrez Gene	var1抑制因子、3様(S. cerevisiae)	41408_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.747	8.7450E-03
427	22794	Entrez Gene	微小管結合タンパク質4	33850_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.691	6.4202E-03
428	322	Entrez Gene	AFG3ATPTアセチラーゼ遺伝子3様2(酵母)	34315_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.692	3.6562E-04
				38437_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.692	2.7067E-03
				38437_bt	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.742	4.1247E-03
				1101_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.692	1.6594E-03

低下診断-表1

遺伝子番号	公開識別子	テキスト	遺伝子名	プロ-ジID	比較	倍率変化	P値
429	10570	Entrez Gene	ジビドロキナゼ様4	36503_s_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.693	9.8676E-03
430	6637	Entrez Gene	核内低分子リボヌクレオタンパク質リバーフチドG	37337_st	Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.693	3.9690E-03
431	8337	Entrez Gene	ヒストン2, H2aa	286_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.693	7.8013E-03
432	8193	Entrez Gene	リボソムタンパク質S5	32437_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.693	1.4564E-03
433	23492	Entrez Gene	クロモソムタンパク質モロク7	32437_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.740	3.6964E-03
				36894_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.693	6.6422E-03
				36894_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.693	8.8794E-03
				36894_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.742	1.6692E-03
				36894_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.742	3.4050E-03
434	4809	Entrez Gene	NHP2非ヒストン染色体タンパク質2様1 (<i>S. cerevisiae</i>)	41745_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.693	5.4886E-03
435	889	Entrez Gene	KRT1、アカリ反復含有	41746_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.830	6.1703E-03
436	79090	Entrez Gene	輸送タンパク質粒子複合体6A	34031_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.694	4.9207E-03
437	328	Entrez Gene	APEX3カレアセ(多機能性DNA修復酵素)1	2025_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.695	4.9002E-03
438	84525	Entrez Gene	ホメオドメイン単独タンパク質	2025_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.746	9.3963E-03
439	2549	Entrez Gene	GRB2関連結合タンパク質1	38698_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.695	8.7289E-03
440	533	Entrez Gene	ATP7-セ、フロン輸送型リソーム型21kDa.VOサブユニット	33997_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.710	2.0825E-03
441	4717	Entrez Gene	NADHヒドロキナゼ(ユビキノン)1、サブユーニット3	36167_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.731	4.0375E-03
			未知、1.6kD	38485_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.698	9.2513E-03
442	23385	Entrez Gene	ニカルト	34635_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.696	2.0589E-03
443	23125	Entrez Gene	カルモテュン結合転写活性化因子2	34635_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.696	1.6657E-03
444	2926	Entrez Gene	カルモテュン結合転写活性化因子1	41421_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.695	4.8084E-03
445	4678	Entrez Gene	核内自己抗原結合タンパク質ヒストリ結合性	32555_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.696	8.6760E-03
446	1837	Entrez Gene	二重特異性タンパク質5	33255_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.695	6.0975E-03
447	22849	Entrez Gene	細胞質リボソーム结合タンパク質3	529_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.697	3.7478E-03
				34931_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.697	6.8691E-03

低下診断表1

(62)

JP 2010-502177 A 2010.1.28

遺伝子番号	公開識別子	TARGETS	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
448	10106	Entrez Gene	CTDカルボキシ末端ドメイン、RNAポリメラーゼII、 ポリヘアチドAスマロルホスファターゼ2	41202_s_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.686	3.5449E-03
449	57017	Entrez Gene	第16染色体オーブリーディングルーム49	34810_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.700	1.2532E-03
450	10329	Entrez Gene	膜貫通タンパク質5	37445_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.810	4.2281E-03
451	26859	Entrez Gene	HMGボックス転写因子1	396009_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.701	2.4850E-03
452	539	Entrez Gene	ATP合成酵素、ブロウ輸送性、 ミトコンドリアF1整合体、O因子ユニット (オリゴマリン感受性付与タンパク質)	37029_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.701	9.4659E-03
453	10542	Entrez Gene	B型肝炎ウイルス結合タンパク質	38054_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.784	5.7342E-03
454	8624	Entrez Gene	ダウン症候群重要領域遺伝子2	38054_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.704	9.1709E-03
455	694	Entrez Gene	B細胞転座相手遺伝子1、抗増殖性	36088_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.782	3.3831E-03
456	5431	Entrez Gene	ポリラーゼII(RNAII)(DNA指向性ポリヘアチドB、140kDa MCM5-2染色体維持欠陥5、細胞分裂周期46 (S. cerevisiae))	37284_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.704	8.0554E-03
457	4174	Entrez Gene		39745_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.704	5.5879E-03
458	10278	Entrez Gene	胎児性Fyn結合基質	982_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.705	2.3347E-03
459	593	Entrez Gene		33883_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.706	4.9235E-04
460	4357	Entrez Gene	分枝鎖ケト酸脱水素酵素E1、 αポリペクチド(メブリシロフ)尿症	37704_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.718	6.1275E-04
461	3727	Entrez Gene	メルカプトヒルビン酸硫黄転移酵素 JunD相原遺伝子	35124_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.707	1.4726E-03
462	51635	Entrez Gene	テヒトロナーゼ/レタクターゼ(SDRアミノ)メバ-7	41483_s_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.707	1.7216E-03
463	22870	Entrez Gene	SAPSトライアミドマバ-1	39614_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.708	6.9810E-03
				39614_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.740	6.8403E-03
				39862_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.709	6.5040E-03

【 0 2 6 0 】

低下診断-表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
464	22882	Entrez Gene	シンクバガ-およびホボックス2	41503_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.709	9.7700E-05
				41503_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.750	6.4056E-03
				41503_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.830	5.9812E-03
465	613	Entrez Gene	切断点クラスタ領域 トボイミラセ(DNA)	34679_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.709	4.4827E-03
466	7180	Entrez Gene		1030_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.711	1.5853E-03
467	1329	Entrez Gene	シクロロキシダセサブユニットVb	39921_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.711	8.1986E-03
				39921_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.718	5.7354E-03
468	51020	Entrez Gene	HDI-ミン含有2	34359_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.712	2.4876E-03
	6888	Entrez Gene	トランサルドラセ1	34359_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.777	2.8509E-03
470	3184	Entrez Gene	ヘテロ核リボヌクレオタンパク質(AUリバク質) タンパク質1, 37kDa	37311_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.713	2.9359E-04
					Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.714	4.2703E-03
471	6050	Entrez Gene	リボヌクレアゼ/アンキオケニンインヒビター	36187_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.715	1.3879E-03
				36187_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.730	5.3679E-03
472	2064	Entrez Gene	v-erb-b2赤芽球性白血病ウイルス癌遺伝子 ホモログ2、神経芽細胞腫/膠芽腫由来癌遺伝 子ホモログ(トリ)	39218_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.718	4.9044E-04
				39218_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.740	6.2999E-04
473	3054	Entrez Gene	宿主細胞因子C(NF167ケセセリタハ)質	37910_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.718	6.3341E-03
				37910_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.718	8.1471E-03
474	79026	Entrez Gene	AHNAK核タンパク質(デスマヨキン)	37027_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.748	8.8700E-05
				37027_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.780	3.1374E-04
475	U77948	GenBank	基本転写因子II,i//基本転写因子II,i 偽遺伝子1	35450_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.718	8.5556E-03
				35450_s_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.720	1.3768E-03
476	949	Entrez Gene	クラスBカベント受容体、シナ-1	41200_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.721	1.6250E-03
				41200_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.720	6.7372E-04
477	1917	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1α2	35174_1_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.720	
				35174_1_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.721	
478	6205	Entrez Gene	リボソムタンパク質S11	32330_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.722	3.3215E-03
479	10611	Entrez Gene	PDZおよびLIMドメイン5	37366_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.722	2.3752E-03
480	HG1614- HT161	The Institute for Genomic Research		954_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Intra	0.747	8.4646E-03
481	79095	Entrez Gene	第9染色体オーリティックフレーム16	41047_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.725	5.9374E-03

低下診断-表1

遺伝子番号	公開識別子	アーティス	遺伝子名	7ローフID	比較		P値
					Day 3 Intra	Day 0 Intra	
482	9813	Entrez Gene	KIAA0484	41830_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.725	3.4757E-03
483	22324	Entrez Gene	微小管結合タンパク質4, RP/EB7アミリード・シバ・3	40825_BI	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.725	1.1882E-03
484	26578	Entrez Gene	破骨細胞刺激因子1	40825_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.765	2.4008E-03
485	1347	Entrez Gene	シクロムオキシダーゼサブユニットVIIa&VIIb(肝臓)	41760_at	Day 7 Peri / Day 3 Extra	0.725	7.2710E-03
485	3615	Entrez Gene	IMP(1ノシルリン酸)脱水素酵素2	36624_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.726	1.4279E-03
487	1981	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子4γ, 1	36624_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.740	8.1540E-04
488	22934	Entrez Gene	リボース-5'-少糖異性化酵素A(I)β-ヌクレオビオゲン	38035_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.729	4.9732E-03
489	26100	Entrez Gene	WIP49様タンパク質2	33392_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.731	6.9435E-03
490	11311	Entrez Gene	液胞タンパク質リテイシング45A(酵母)	35779_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.731	7.1397E-03
491	3916	Entrez Gene	リボソム膜タンパク質1	38758_I_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.732	1.6743E-03
492	23020	Entrez Gene	活性化シグナルコインテグレタ1複合体サブユニット3様1	41224_BI	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.732	7.2017E-03
493	10473	Entrez Gene	高移動度群ヌクレオソーム結合ドメイン4	35738_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.732	4.8156E-03
494	10075	Entrez Gene	HECT, UBAおよびWWドメイン含有1	34374_BI	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.733	2.9867E-03
495	6812	Entrez Gene	シタキシン結合タンパク質1	34372_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.802	9.1907E-03
496	23511	Entrez Gene	ヌクレオボル188kDa	38942_S_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.734	2.7323E-03
497	HG3238-HT232	The Institute for Genomic Research		32644_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.735	1.7224E-03
498	28638	Entrez Gene	KIAA0284	329_5_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.736	9.8413E-03
499	30958	Entrez Gene	スマチジン(EPB72)様2	38892_S_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.736	1.6693E-03
500	23259	Entrez Gene	DDHDドメイン含有2	34380_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.788	5.7373E-03
501	10634	Entrez Gene	増殖停止特異的2様1	35177_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.736	6.0526E-03
502	3420	Entrez Gene	イクイシ酸脱水素酵素3(NAD ⁺)β	31874_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.737	6.5771E-03
503	10424	Entrez Gene	プロテオステロン受容体膜成分2	40111_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.737	7.5700E-03
				38821_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.738	1.9327E-03
				38821_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.746	7.1002E-03

低下診断-表1

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
504	8531	Entrez Gene	低温ショックメイクバク質A	39639_st	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.758	8.6534E-03
505	5439	Entrez Gene	ホリゾナーゼ(RNA)(DNA指向性ホリゾナーゼ)J、13.3kDa	1486_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.740	2.7928E-03
506	10929	Entrez Gene	スプライシング因子、アルキニン/セリノリチ、46KD	32038_g_at	Day 7 Peri / Day 3 Peri	0.772	1.7983E-03
507	6227	Entrez Gene	リボソームタンパク質S21	32744_at	Day 7 Peri / Day 3 Control	0.740	5.3053E-03
508	6169	Entrez Gene	リボソームタンパク質L38	34085_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.743	6.3557E-03
509	51304	Entrez Gene	シンクルンガーニDHC型含有3	39751_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.744	7.7458E-03
510	6218	Entrez Gene	リボソームタンパク質S17	34582_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.746	2.8146E-03
511	9540	Entrez Gene	腫瘍タンパク質p53誘導のタンパク質3	36079_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.746	5.1335E-03
512	1327	Entrez Gene	トトロムオキシダーゼサブユニットN747/748	36027_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.746	6.3668E-03
513	10541	Entrez Gene	酸性(ロジンリチ)核リン酸化タンパク質3277ミリ、メバ-8	38479_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.747	1.6161E-03
514	3030	Entrez Gene	ヒドロキシアルCoA脱水素酵素/3-ケトグルタミルCoAチカラゼ/エノイルCoA加水酵素(三機能タンパク質)	36952_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.750	6.1281E-03
515	23379	Entrez Gene	KIAA0947タンパク質	36952_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.835	2.4582E-03
				41595_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.751	2.7370E-03
516	3032	Entrez Gene	ヒドロキシアルCoA脱水素酵素/3-ケトグルタミルCoAチカラゼ/エノイルCoA加水酵素(三機能タンパク質)	39741_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.752	2.0158E-03
517	5223	Entrez Gene	ホスホリセリン酸ムターゼ1(脳)	41221_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.752	1.6814E-03
518	10638	Entrez Gene	S期DNA合成(サイクリン関連)	1685_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.754	1.2098E-03
519	9215	Entrez Gene	グリコジルシヌクレオチド	41346_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.754	4.1378E-03
520	10572	Entrez Gene	CD27結合(Siva)タンパク質	38020_st	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.754	9.5129E-03
521	10241	Entrez Gene	核トネル10タブタンパク質	40063_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.755	7.6519E-03

低下診断-表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロ-ファイルID	比較	倍率変化	P値
522	162427	Entrez Gene	仮想タンパク質LOC162427	38423_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.755	7.1257E-03
				38423_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.845	2.2722E-03
523	10036	Entrez Gene	クロマチン構築因子1、サブユニットA(p150)	38423_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.848	1.7317E-03
524	6202	Entrez Gene	リボソームタンパク質S8	32569_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.756	2.8970E-03
525	55218	Entrez Gene	第14染色体オーブンリティングフレーム114	31563_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.755	8.6210E-03
526	1955	Entrez Gene	EGF様ドメイン、マルチドーム	36263_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.759	7.7904E-04
527	9724	Entrez Gene	UTP14、U3核内低分子リボヌクレオタンパク質、 ホモログC(酵母)	36488_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.758	7.4685E-03
528	26003	Entrez Gene	ゴルジ再構築タンパク質2、55kDa	39405_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.760	3.9078E-03
529	56829	Entrez Gene	シジクインガ-CCCH型、抗ウイルス1	35805_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.761	2.3291E-04
530	4601	Entrez Gene	MAX-1/シグタ-1	35682_at	Day 7 Peri / Day 3 Control	0.770	2.6315E-03
				39072_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.781	2.0769E-04
				654_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.782	4.0454E-03
531	6293	Entrez Gene	液胞タンパク質ソティング52(酵母)	39072_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.839	5.2859E-03
532	1998	Entrez Gene	E74様因子2(Etsドメイン転写因子)	32658_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.762	7.4217E-03
533	10067	Entrez Gene	分泌担体タンパク質3	32658_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.858	6.8038E-03
534	54337	Entrez Gene	ポリラーゼ(RNA)III(DNA指向性ポリラーゼ)H	32799_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.763	4.9954E-03
				35631_at	Day 7 Peri / Day 3 Extra	0.764	7.2269E-03
535	6203	Entrez Gene	リボソームタンパク質S9	35631_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.772	5.4217E-03
536	55744	Entrez Gene	仮想タンパク質FLJ10803	31511_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.764	7.8708E-03
537	7693	Entrez Gene	シクフィンガ-チタンパク質134(クロントpH2-15)	37810_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.764	2.5200E-03
538	5056	Entrez Gene	増殖関連2G4、38kDa	36295_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.764	9.8337E-03
539	9249	Entrez Gene	デヒドロカナセ-レダクターゼ(SDR77ミリトメバ-3	41600_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.765	6.9426E-03
540	1337	Entrez Gene	リボソームオキシダーゼサブユニットV(アリベーブチド1	41206_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.766	1.77769E-03
541	23623	Entrez Gene	RUN3およびUSH3A、イン含有1	34264_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.768	9.1280E-03
542	8890	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子2B、サブユニットアルファ、67kDa	32659_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.765	8.3725E-03

遺伝子番号	公開識別子	Entrez Gene	遺伝子名	アローフID	比較	倍率変化	P値
543	203069	Entrez Gene	R3H1'メイクおよびヒトコイル含有1	36156_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.769	6.4063E-03
544	7529	Entrez Gene	チロシン3-キシゲナーゼ/トリプトファン5-モノキシゲナーゼ活性化タンパク質、βホリペプチド	32324_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.769	5.4509E-03
545	23294	Entrez Gene	アンキリン反復およびスピライルαモチドメイン含有1	40871_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.768	7.4093E-03
546	29	Entrez Gene	活性BCR関連遺伝子	40971_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.796	3.4853E-03
547	1937	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子γ	39058_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.771	7.8298E-03
548	5636	Entrez Gene	ホスホリボンビリル酸合成酵素関連タンパク質2	39058_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.795	8.8684E-03
549	147179	Entrez Gene	WIREタンパク質	16769_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.771	8.5875E-03
550	9703	Entrez Gene	KIAA0100遺伝子産物	39058_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.795	4.2046E-03
551	10294	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ、サブファミリーA.メンバ-2	34201_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.775	2.1191E-03
552	9741	Entrez Gene	リソームタンパク質質遺伝子4α	39019_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.776	6.0768E-03
553	8480	Entrez Gene	RAE1 RNA搬出1モロウ(S. pombe)	39019_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.815	9.6992E-03
554	10555	Entrez Gene	リボヌクレアーゼP/MRP 30kDaサブユニット	32757_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.778	1.2850E-03
555	9862	Entrez Gene	マルチブリジットルボリリ酵素チシノホスファターゼ-1	38325_at	Day 7 Peri / Day 3 Extra	0.779	8.9541E-03
556	9528	Entrez Gene	膜貫通タンパク質59	39033_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.779	8.9035E-03
557	5326	Entrez Gene	多形膜貫通伝子様2	39033_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.787	2.6172E-04
558	3163	Entrez Gene	ヘムオキシゲナーゼ(サイクリン)2	40061_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.779	7.8774E-03
559	22864	Entrez Gene	KIAA002タンパク質	37916_at	Day 7 Peri / Day 3 Peri	0.781	9.4119E-03
560	23307	Entrez Gene	KIAA0674	41366_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.781	8.7647E-03
561	670	Entrez Gene	ビフェニル加水分解酵素様(セリ)加水分解酵素、乳膠上皮ムチン関連抗原)	31826_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.783	2.4983E-03
				40912_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.784	7.7779E-03
562	9903	Entrez Gene	ケルヒ様2(ショウジョウバエ)	37230_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.788	5.6275E-03
563	5236	Entrez Gene	ホスホカルボンキナーゼ1	37230_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.812	4.4808E-03
564	51780	Entrez Gene	十文字ドメイン含有1B	32210_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.799	7.7233E-03
				33870_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.789	6.0671E-03

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	テーマリス	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
565	2975	Entrez Gene	基本転写因子IIIc、ホリヘブチト1、α 220kDa	36671_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.791	3.1660E-03
566	10956	Entrez Gene	骨肉腫増幅	36996_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.791	9.0785E-03
567	1201	Entrez Gene	セロトリボンヌチン沈着症、神経型3、若年性(ハッテヅムヒルマイアーフイ)病	36996_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.818	6.2854E-03
568	56270	Entrez Gene	WDR45様	497_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.792	5.8473E-03
569	527	Entrez Gene	ATP7セ、プロトン輸送型、リソーム型16kDa、VO4+輸送	39185_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.792	6.7923E-03
570	8720	Entrez Gene	膜結合型転写因子ヘブチダセ、部位1	36994_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.794	8.6116E-03
571	3151	Entrez Gene	高移動度群クリオソーム結合ドメイン	36954_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.795	9.8019E-03
572	286440	Entrez Gene	仮想タンパク質LOC28644	41231_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.796	7.6383E-04
573	6136	Entrez Gene	リソームターナー病L12	41655_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.827	4.3201E-03
574	79073	Entrez Gene	仮想タンパク質MGC5508	33668_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.796	8.4134E-03
575	445	Entrez Gene	アルキニコハク酸合成酵素	39693_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.797	2.3409E-03
576	11224	Entrez Gene	リソームターナー病L35	40541_at	Day 7 Peri / Day 3 Peri	0.799	7.6719E-03
577	11258	Entrez Gene	ダイナチン3p22)	41785_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.800	6.9298E-03
578	4779	Entrez Gene	核因子(赤芽球由来2)様1	40410_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.808	6.4549E-03
579	149803	Entrez Gene	リソームターナー病187	38439_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.811	5.5209E-03
580	8818	Entrez Gene	トリヒリ酸マンノシル転写酵素ホリペブチト2、調節サブユニット	39722_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.812	7.5346E-03
581	823	Entrez Gene	カルハイ1、(mRNA)大サブユニット	38726_at	Day 7 Peri / Day 3 Peri	0.814	3.7920E-03
582	5438	Entrez Gene	ホリメラセ(RNA)II(DNA)II(性ホリヘブチト1、14.5kDa)	33908_at	Day 7 Peri / Day 3 Peri	0.815	9.2186E-03
583	6720	Entrez Gene	ステロール制御領域結合転写因子1	34628_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.816	8.6878E-03
584	23633	Entrez Gene	カリオリソルα6(シボルチンα7)	32135_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.819	6.4366E-03
585	7534	Entrez Gene	チロシン3モチゲナセ-トリコトフラン5-モノキシゲナセ活性化タンパク質、ホリヘブチト	40275_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.824	1.6981E-03
				1235_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.824	9.9973E-03
				1235_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.853	7.0175E-03

低下診断-表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
586	23451	Entrez Gene	pescadillo(EPA1), BRC1トノン含有(セノラフィン)	41669_at	Day 7 Peu/ Day 0 Peu	0.831	9.3865E-03
587	369	Entrez Gene	vraf4A入肉腫3611ウイルス癌遺伝子ホモログ	1706_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.832	4.3502E-04
588	23	Entrez Gene	ATP結合カセット_サブアドリナ(GCN20), メバニ	39141_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.837	5.3611E-03
589	25956	Entrez Gene	第21染色体オーブンリティンクフレーム25	32107_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.845	5.8404E-03
590	23844	Entrez Gene	自己抗原	36670_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.866	7.3351E-03

【 0 2 6 7 】

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	テーマリス	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
1	4250	Entrez Gene	セクレトグロビン、ガミミ-2A、シルバ-2	36329_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.131	2.0793E-03
3	10647	Entrez Gene	セクレトグロビン、ガミミ-1D、シルバ-2	32880_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.211	2.5592E-03
5	2167	Entrez Gene	脂肪細胞型脂肪酸結合タンパク質4	38430_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.219	8.7014E-03
8	9415	Entrez Gene	脂肪酸不飽和化酵素2	32190_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.365	8.5757E-03
11	553168	Entrez Gene	第1染色体オーナー-1イノフレム68	31326_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.138	7.6909E-03
13	125	Entrez Gene	アルコルデヒドオナーゼ1B(クラス)、β-ドリベニア	35730_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.252	5.3255E-03
14	3205	Entrez Gene	ホオホックスA9	37809_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.180	5.0202E-03
15	7136	Entrez Gene	トロポニンI2型(遠筋型)	37809_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.237	8.7426E-03
17	6210	Entrez Gene	リボソームタンパク質S15a	37809_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.314	9.1991E-03
18	7123	Entrez Gene	O型レクチドマイクミリ3、シルバ-B	34316_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.185	5.1425E-04
20	AB01153B	GenBank	CDNAクロマ IMAGE:5922621	34316_at	Day 3 Peri / Day 7 Control	0.432	2.3230E-04
21	3131	Entrez Gene	肝白血病因子	34316_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.476	1.6785E-04
22	M57951	GenBank	UDPグルクロン酸転移酵素177リードリベニア A10//UDPグルクロン酸転移酵素17アミリ ボリベニア	36569_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.356	1.8400E-05
24	2053	Entrez Gene	細胞質エキソト加水分解酵素2	41473_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.521	6.6949E-03
26	5271	Entrez Gene	セレニンプロテオグリカン複合物、ガミバ-9	36312_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.331	4.7432E-04
28	10781	Entrez Gene	シングルインカータンパク質266	41621_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.350	5.4116E-04

低下診断-表2

遺伝子番号	公開識別子	Entrez Gene	遺伝子名	プロト-ID	比較	倍率変化	P値
29	4126	Entrez Gene	モノミン酸化酵素A	41772_at	Day 3_Perf / Day 3_Extra	0.351	3.2109E-03
				41771_g_at	Day 3_Perf / Day 3_Control	0.464	2.4036E-03
				41772_at	Day 7_Perf / Day 7_Extra	0.614	6.2007E-03
31	8483	Entrez Gene	軟骨中間層タンパク質、ヌクルオキトビロスホリラーゼ	34985_at	Day 3_Perf / Day 0_Perf	0.354	4.8214E-04
34	10458	Entrez Gene	BAU1結合タンパク質2	34985_at	Day 7_Perf / Day 0_Perf	0.381	2.9109E-03
36	2273	Entrez Gene	41/2JIMトマイン1	37761_at	Day 7_Perf / Day 0_Perf	0.358	3.2292E-04
37	23016	Entrez Gene	エキソソーム成分7	32542_at	Day 3_Perf / Day 0_Perf	0.598	1.0804E-03
38	23352	Entrez Gene	網膜芽細胞腫関連因子600	32542_at	Day 7_Perf / Day 0_Perf	0.643	1.4304E-03
39	7138	Entrez Gene	トロポニンT2型(連筋型)	33294_at	Day 0_Perf / Day 0_Control	0.369	2.9368E-04
42	10521	Entrez Gene	DEAD(Asp-Glu-Ala-Asp)ホークスボリニアト17	33294_at	Day 3_Perf / Day 3_Control	0.453	3.7416E-04
43	8710	Entrez Gene	セルビン-ペプチダーゼ阻害剤、ケルトB(カルブミン)、ヌクル	33860_at	Day 0_Perf / Day 0_Control	0.369	5.2550E-04
44	2194	Entrez Gene	脂肪酸シナセ	33860_at	Day 3_Perf / Day 3_Control	0.374	1.4026E-03
45	3202	Entrez Gene	ホカホカスA5	33860_at	Day 7_Perf / Day 7_Control	0.452	4.0374E-03
46	54	Entrez Gene	酒石酸耐性酸性ホスフターゼ5	35377_at	Day 3_Perf / Day 3_Extra	0.549	6.8832E-03
49	63920	Entrez Gene	肝細胞癌抗原遺伝子520	35377_at	Day 7_Perf / Day 7_Extra	0.579	3.6353E-03
50	5055	Entrez Gene	セルビン-ペプチダーゼ阻害剤、ケルトB(カルブミン)、ヌクル	36113_s_at	Day 7_Perf / Day 7_Control	0.371	6.4628E-03
51	5354	Entrez Gene	プロテオリピタンパク質1(ヘリトリエーウス・マルバッヘル病、遺伝性対称性2型、單純性)	36113_s_at	Day 3_Perf / Day 3_Control	0.452	4.3070E-03
				35583_at	Day 0_Perf / Day 0_Control	0.383	2.2472E-03
				35583_at	Day 7_Perf / Day 7_Extra	0.577	6.8849E-03
				38429_at	Day 3_Perf / Day 7_Perf	0.512	8.4627E-03
				873_at	Day 3_Perf / Day 3_Extra	0.387	6.1920E-03
				677_s_at	Day 7_Perf / Day 7_Control	0.389	2.8442E-04
				677_s_at	Day 7_Perf / Day 7_Extra	0.672	8.0184E-03
				33007_at	Day 3_Perf / Day 3_Control	0.394	7.4079E-03
				37185_at	Day 0_Perf / Day 0_Control	0.399	5.5226E-03
				41168_at	Day 0_Perf / Day 0_Control	0.544	4.8737E-03
				41168_at	Day 3_Perf / Day 0_Perf	0.715	7.5707E-03

低下診断-表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
52	642	Entrez Gene	ブレオマジン加水分解酵素	394_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.404	6.8138E-03
53	10443	Entrez Gene	仮想遺伝子CG012	1532_9_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.406	9.9594E-04
				1532_9_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.567	4.1852E-03
				1532_9_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.560	5.2680E-03
54	224	Entrez Gene	アルビト脱水素酵素377ミリ-メバ-A2	40409_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.445	7.4233E-03
55	90834	Entrez Gene	仮想遺伝子CG018	1527_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.410	2.0450E-03
				1527_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.515	2.5140E-03
56	1675	Entrez Gene	補体因子D(アシブン)	40282_s_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.410	3.2238E-03
57	23242	Entrez Gene	コルドン-ブル-ホモログ(マウス)	35669_at	Day 7 Renl Day 0 Peri	0.543	1.1342E-03
58	10158	Entrez Gene	PDZK1(結合タバク質)	35669_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.585	1.2820E-03
				31610_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.421	4.1131E-03
59	10001	Entrez Gene	RNAポリラーゼII転写メチル化、サブユニット6ホモログ(酵母)	35430_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.427	4.0549E-03
60	97	Entrez Gene	アルホスファターゼ1、赤血球型(一般型)	33334_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.427	3.3326E-03
63	51097	Entrez Gene	サカロビン脱水素酵素(推定)	34863_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.430	9.0435E-03
64	2217	Entrez Gene	IgGFcブレグメント、受容体、トランスポーター、α	31431_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.430	7.9132E-04
65	1983	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子5	167_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.431	3.2376E-04
66	51601	Entrez Gene	リボ酸転移酵素1	167_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.519	7.0199E-03
				37441_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.432	3.4529E-03
70	2618	Entrez Gene	ホスホリボンクリリンアミドホミルトランスクレオチド、ホスホリボンクリリンアミドシナシテタセ、ホスホリボンクリリンアミドシナシテタセ	38384_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.436	8.9104E-03
71	HG3570-HT377	The Institute for Genomic Research	...	936_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.437	1.3929E-04
				936_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.554	6.0851E-03
				936_s_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.679	6.6192E-03
72	53335	Entrez Gene	B細胞CLL/リバ腫11A(シクワガ-カンバク質)	41356_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.438	5.3163E-03

低下診断-表2

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロファイル	比較	倍率変化	P値
74	8906	Entrez Gene	アラバタンバク質複合体1、Y2サブユニット	38798_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.441	6.9369E-03
77	9524	Entrez Gene	精タンパク質、シナプス2	38956_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.480	6.4090E-03
78	91137	Entrez Gene	仮想タンパク質BC017169	38866_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.444	3.9851E-03
79	56288	Entrez Gene	par 3バーテンニンク欠陥ホモログ(C. elegans)	37178_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.614	2.1060E-03
80	26154	Entrez Gene	ATP結合カセット、サファミリA(ABC1)、ノハ-12	40893_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.449	3.9314E-03
81	260294	Entrez Gene	ウイルムズ・ゼュレン症候群染色体領域20C	41258_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.453	3.7288E-03
82	1410	Entrez Gene	クリストラノ、α B	32242_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.454	8.8596E-03
83	131544	Entrez Gene	仮想タンパク質DKFZp667G2110	41274_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.454	4.4963E-03
84	10733	Entrez Gene	ホロ様ナセ4(ショウジョウカバ)I	41274_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.589	7.8530E-03
86	10181	Entrez Gene	RNA結合モチーフタンパク質5	975_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.459	4.3469E-03
90	6924	Entrez Gene	転写伸長因子B(SII)、オリベブチド3(110kDa、IPキノンA)	1556_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.460	1.4047E-03
93	1152	Entrez Gene	クリアシキナセ、脳	32049_I_at	Day 0 Peri / Day 0 Extra	0.469	3.1906E-03
94	10450	Entrez Gene	ペプチドプロテラーゼ異性化酵素E(クロフィリンE)	40863_I_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.507	3.2271E-04
95	HG1112-HT111	The Institute for Genomic Research	...	34366_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.473	5.7231E-03
97	4128	Entrez Gene	モノミン酸化酵素B	34365_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.638	2.8273E-03
98	10314	Entrez Gene	LANCランチオテイクシシテタセ"成分C様1(細菌)	1839_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.473	1.6274E-03
101	8532	Entrez Gene	カルボキシペプチダーゼ2	1839_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.555	9.8116E-03
102	6038	Entrez Gene	リボヌクレアーゼ、RN7セA7ミリ-4	37628_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.475	8.4099E-04
103	10924	Entrez Gene	スフィコニミリホスホスチロラセ酸様3A	39441_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.482	2.7594E-03
106	8634	Entrez Gene	RNA末端リボシラセドメイン	37248_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.483	2.2125E-04
107	4163	Entrez Gene	大腸癌変異	35195_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.489	1.6326E-03
				35561_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.606	7.2171E-03

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
108	7262	Entrez Gene	「アックストリホモジン様ドメイン」アミリ-2	310888_9_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.490	4.0424E-03
109	28039	Entrez Gene	第18染色体滑膜肉腫伝子様1	31903_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.493	1.3274E-03
110	1525	Entrez Gene	「クサキウイルス・アデノウイルス受容体	37534_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.493	7.3178E-03
112	11072	Entrez Gene	二重特異性ホスファターゼ14	38272_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.494	1.4639E-03
113	6490	Entrez Gene	「ルバーホモロゲ」(マウス)	38327_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.497	4.4983E-04
115	4176	Entrez Gene	MCM7ミニクロモソーム維持欠陥7(S. cerevisiae)	947_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.498	5.3933E-04
116	2197	Entrez Gene	普遍的発現Finkel-Biskis-Freillyマウス肉腫ウイルス(FBR-MuSV)(Fox由来)リボソムタンパク質S30	31955_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.498	9.3003E-03
118	4898	Entrez Gene	「カビリシン」(ニ塩基性N-アミニ変換酵素)	34787_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.499	2.6275E-03
119	6662	Entrez Gene	SRY(性決定領域Y)ホルタス9(屈曲肢異形成症、常染色体逆性)	33436_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.500	5.3219E-03
120	2114	Entrez Gene	vets赤芽球症ウイルスE26癌遺伝子ホモログ2(人)	38798_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.501	4.4662E-03
121	1158	Entrez Gene	カルチニナーゼ、筋肉	32436_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.501	6.1426E-03
123	1573	Entrez Gene	「トクロムP450」アミリ-2、サファミリ-2、ポリハプロトド2	5019_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.505	2.0051E-03
129	9833	Entrez Gene	母体胎芽口シンシンバ"キナセ"	38847_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.510	9.6404E-03
130	U18300	GenBank	損傷特異的DNA結合タンパク質2、48kDa///	1243_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.511	4.5848E-04
131	23051	Entrez Gene	「シノクイナ」および「ホボホボクサ3	1243_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.556	6.7443E-03
132	51706	Entrez Gene	「シノクイナ」(シノクイナターゼ1)	1243_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.749	8.6022E-03
136	2013	Entrez Gene	「上皮膜タンパク質2」	4061_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.738	3.2244E-03
				35529_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.513	1.8894E-03
				39831_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.517	3.1103E-03
				39831_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.629	6.1987E-04

低下診断-表2

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
137	B1563	Entrez Gene	第1染色体オフショルダーフレーム21	41679_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.517	1.2344E-03
				41679_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.607	8.6951E-03
138	1638	Entrez Gene	トバクロム変異性酵素 (トバクロムルサイドラーゼ、チロシン開閉タンパク質2)	41182_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.518	2.7300E-05
141	57613	Entrez Gene	KIAA1467タンパク質	41182_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.596	1.9071E-04
142	2647	Entrez Gene	リソーム開連オルカネラ複合体1、サブユニット1の生合成	41182_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.520	5.9389E-03
144	AF096870	GenBank	3要素モノマー含有16//3要素モノマー含有16類似: リストロン応答ホッパタンパク質	38881_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.521	1.0549E-04
146	4968	Entrez Gene	8オキソグアニンDNAグリコラーゼ	38835_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.759	8.2179E-03
148	4713	Entrez Gene	NADHヒドロゲナーゼ(ユビキノン)1βサブユニット7、7.18kDa	35773_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.525	1.8840E-03
				36773_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.748	5.4735E-03
				35773_at	Day 7 Peri / Day 3 Peri	0.791	1.2691E-03
149	1398	Entrez Gene	システィンリッチタンパク質1(胰)	33222_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.526	3.2907E-04
150	771	Entrez Gene	炭酸脱水酵素XII	32222_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.596	1.5417E-03
151	55187	Entrez Gene	液胞タンパク質トランシング13D(酵母)	38444_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.626	3.3461E-03
				35225_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.650	2.8445E-03
				32743_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.819	1.5268E-03
				32743_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.772	6.0079E-03
152	498	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、 ミコンドリアF1複合体、αサブユニット、アイソフォーム1、 心筋	40096_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.527	6.5302E-03
				40096_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.563	2.0338E-04
154	242	Entrez Gene	アラキトン酸12-リポキシダーゼ、12R型	33029_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.530	9.3336E-03
156	6805	Entrez Gene	複製因子C(活性化因子1)5、36.5kDa	653_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.533	6.1880E-03
157	26610	Entrez Gene	伸長タンパク質4ホモログ(S. cerevisiae)	38347_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.533	6.3391E-03

【 0 2 7 4 】

低下診断-表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
159	5110	Entrez Gene	シナック質レーザクシスラギン酸(Dアルギン酸)O-チル基転 移酵素	37738_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.678	3.6789E-03
160	113146	Entrez Gene	第14染色体オーブンリーディングフレーム4	36497_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.535	3.4244E-03
165	10124	Entrez Gene	ADPリボン化因子様4	36497_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.645	2.9700E-05
166	10653	Entrez Gene	セリン/アスパチル-阻害剤、ケニッジタイプ、2	36497_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.577	3.7100E-05
167	10434	Entrez Gene	リゾホスホリバーゼ1	34348_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.537	9.4449E-03
169	123	Entrez Gene	脂肪分化関連タンパク質	34348_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.573	7.9326E-03
170	80308	Entrez Gene	Fad1, フラビンデニニクレオチドシナテヒ、ホモログ (酵母)	39074_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.544	3.5037E-04
173	23345	Entrez Gene	スペクトリン反復含有、核膜1	38113_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.546	1.8607E-03
175	80208	Entrez Gene	仮想タンパク質FU21439	40615_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.546	5.1650E-03
176	202	Entrez Gene	absent in melanoma 1	32112_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.547	1.9891E-03
178	5268	Entrez Gene	TMビンバグチセ-阻害剤、クルトB(オボアルブミン)、メノバ-5	862_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.546	8.5245E-03
178	5268	Entrez Gene	セルビンバグチセ-阻害剤、クレトB(オボアルブミン)、メノバ-5	862_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.578	5.9941E-03
179	1474	Entrez Gene	シスタンE/M	33128_s_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.549	1.9072E-03
180	9827	Entrez Gene	ミクシソ2	33128_s_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.605	2.6868E-03
182	2145	Entrez Gene	zesteのエンハンサホモログ(ジオウジョウカハ1)	34369_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.635	6.4361E-03
183	2959	Entrez Gene	基本転写因子1B	32259_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.593	1.0957E-03
				1070_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.556	4.5246E-03

低下診断-表2

遺伝子番号	公開識別子	テータース	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
185	4736	Entrez Gene	リボソームタンパク質L10a	36785_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.556	7.2273E-04
				36786_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.592	1.4203E-03
				36786_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.622	8.0598E-04
				36786_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.658	3.0374E-03
				36786_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.783	1.0376E-03
				32618_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.557	3.0655E-04
				32618_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.620	3.2985E-04
				32618_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.677	7.9770E-03
				32618_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.702	5.1159E-03
				31935_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.558	3.7112E-03
				35435_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.558	7.5277E-03
				35435_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.692	5.5220E-03
186	644	Entrez Gene	ヒリベルシンタクタセA				
187	9665	Entrez Gene	limkain b1				
188	3033	Entrez Gene	L-3セトロキオジルCoA-ヒドロナセ/短鎖				
190	55651	Entrez Gene	核小体タンパク質アリルA、ヌクレア (H/ACA核小体低分子RNA)	41322_5_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.559	1.2634E-03
191	11336	Entrez Gene	SEC6様 (S. cerevisiae)	37597_5_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.560	4.7653E-03
192	7009	Entrez Gene	精巢増強遺伝子転写産物(BAXイントナー)	37597_5_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.566	9.6420E-04
193	23107	Entrez Gene	ミトコンドリアボゾンタンパク質S27	33988_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.560	1.0937E-03
194	50	Entrez Gene	アコニタセ2、ミトコンドリア型 グルタミ酸デヒドロナセ1	33988_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.582	8.2347E-04
195	2746	Entrez Gene		39377_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.561	3.7750E-03
197	6477	Entrez Gene	セフン-イン-アフセナホモログ1(ショウジョウカバ)I	39377_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.571	9.8956E-03
198	6166	Entrez Gene	リボソームタンパク質L36a様	39377_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.534	8.8004E-03
199	7175	Entrez Gene	転座フローラ-領域(活性化したMET遺伝子への)	3261_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.582	5.6984E-03
201	171546	Entrez Gene	第14染色体オーブリーディングラム147	39856_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.583	6.9886E-03
202	10553	Entrez Gene	HPV-1 Tatt結合タンパク質2、30kDa	421_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.565	2.6629E-03
				33999_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.571	7.8476E-03
				38824_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.571	7.2789E-03
				38824_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.592	5.7073E-03

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
203	115817	Entrez Gene	デヒドロナーゼ/レダクターゼ(SDR77C)アンバー-1	39103_5_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.571	2.1724E-04
204	25813	Entrez Gene	ソテイングおよびアセブリ構成成分50ホモログ (<i>S. cerevisiae</i>)	39103_5_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.601	5.7200E-03
205	259863	Entrez Gene	DKFZP564G2022 ^{ダニア} 質 クラリソ、酵素ホリヘブチ(Lcb)	39103_5_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.572	1.2889E-03
206	1212	Entrez Gene	Dトバクム互変異性酵素	40457_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.572	3.2143E-03
207	1652	Entrez Gene		32523_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.573	4.0809E-03
208	27335	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3、サブユニット12	374_f_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.573	7.7105E-03
209	217	Entrez Gene	アルデヒト脱水素酵素2アミリ(ヒトコントリア型)	31492_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.574	7.4544E-04
210	10049	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ、サブファミリーB、ダバ-6	32747_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.574	5.1549E-04
212	8623	Entrez Gene	アセチルセトニオオキチルトランスフェラーゼ様	41234_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.577	3.8743E-03
213	169611	Entrez Gene	オルファクトジョン様2A	36553_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.710	1.0994E-04
214	11066	Entrez Gene	U11/U12 snRNP 35K	383312_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.719	4.2489E-04
215	9336	Entrez Gene	CD302抗原	41029_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.580	1.0146E-03
216	4729	Entrez Gene	NADHヒドロゲナーゼ(ユビキン)アボタンパク質2、 24kDa	34760_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.580	5.4949E-04
217	987	Entrez Gene	LPS応答性小胞輸送、ビチおよびシカ含有	34893_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.581	9.2931E-03
218	128	Entrez Gene	アルコルデヒドロナーゼ5(クラスIII)、Xボリバブチド	35371_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.582	1.9359E-03
220	7295	Entrez Gene	チオレドキシン	35371_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.582	1.9359E-03
222	10380	Entrez Gene	COP9構成的光形態形成ホモログサブユーニット6 (<i>Arabidopsis</i>)	37708_f_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.600	1.3243E-03
223	2621	Entrez Gene	増殖停止特異的6	36992_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.583	2.4693E-03
224	831	Entrez Gene	加ハヌクダ	36992_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.573	3.0827E-03
				40138_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.584	6.5665E-03
				15977_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.589	5.8701E-03
				41257_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.700	3.4819E-03

(78)

JP 2010-502177 A 2010.1.28

【 0 2 7 6 】

低下診断-表2

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
228	645	Entrez Gene	ビリヘミンルダクターゼB(フェンダクターゼ(NADPH))	37002_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.588	8.3451E-04
229	8581	Entrez Gene	リバ球抗原原6複合体、D遺伝子座	36284_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.589	9.2938E-03
230	AB006780	GenBank	レクチン、ガクトン3D結合性、可溶性、3(ガレチン3D)ガレチン3D内在遺伝子	35387_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.683	4.0159E-04
				35387_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.763	8.3297E-03
231	6929	Entrez Gene	転写因子3(E2A免疫グロブリンE1バサ結合因子E12/E47)	1373_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.738	3.1310E-04
232	10476	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、ミトコントラF0複合体、サブユニットd	35760_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.590	1.5912E-03
233	7022	Entrez Gene	転写因子AP-2γ(活性化Eンハンサ結合タンパク質2γ)	40303_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.738	8.9277E-03
				40303_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.591	7.9662E-03
234	2806	Entrez Gene	グルミン酸オキサロ酢酸アミノ基転移酵素2、ミトコントラI型(アスハラキ、酵酸アミノ基転移酵素2)	40764_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.591	2.0500E-03
235	23185	Entrez Gene	La(1)核外タンパク質ドメインアミリードメインハ-5	32586_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.591	3.7384E-03
				32586_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.685	8.4169E-04
237	708	Entrez Gene	補体成分1、9サブユニット結合タンパク質	37568_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.782	5.1696E-03
238	81875	Entrez Gene	インターフェロン活性化ギクルーゼ-遺伝子20kDa様2	40346_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.591	6.3705E-03
239	AJ032612	GenBank	エフセ1、(α)III/核内低分子リボヌクレオタンパク質ポリペプチドF	41403_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.593	3.2988E-03
				41403_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.674	9.8788E-04

【 0 2 7 7 】

低下診断-表2

(80)

JP 2010-502177 A 2010.1.28

遺伝子番号	公開識別子	アーリス	遺伝子名	7ローブID	比較	倍率変化	P値
240	26040	Entrez Gene	SET結合タンパク質1	34980_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.593	3.4533E-04
241	8673	Entrez Gene	小胞結合膜タンパク質8(エンドプレン)	34990_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.711	9.8766E-03
243	4255	Entrez Gene	O-6-メチルケアニア-DNAメチルランスクレアーゼ	32715_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.593	2.2624E-03
245	6249	Entrez Gene	レスチン(Reed-Stemberg細胞発現中間径フィラメント結合タンパク質)	2051_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.625	1.3473E-03
246	11188	Entrez Gene	nischarin	34350_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.594	5.4697E-03
248	2547	Entrez Gene	チャニアスハムスア細胞における修復欠陥を補完するヌクレオフ6Ku自己抗原、70kDa)	32766_at	Day 0 Peri / Day 7 Extra	0.695	8.1420E-03
249	545	Entrez Gene	毛細血管拡張運動失調症およびRad3関連	37229_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.597	3.7132E-03
250	4775	Entrez Gene	活性化T細胞核因子、細胞質性、カルニコリクン依存性3	40822_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.619	5.1546E-03
252	4790	Entrez Gene	B細胞のK軽鎖ポリペプチド遺伝子E1ハサの核因子1(p105)(p105)	40823_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.597	3.4027E-03
254	26135	Entrez Gene	SERPINE1 mRNA結合タンパク質1	40822_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.633	7.3198E-03
255	23234	Entrez Gene	DnaU(Hsp60)ホモログ、サフアミリC、ダム-9	1378_g_at	Day 0 Peri / Day 0 Initia	0.746	7.0070E-03
257	A1557912	GenBank	ミコトリア外膜トスロカセ7ホモログ(酵母)///仮想タババク質LOC201725	41569_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.598	6.5881E-03
258	4437	Entrez Gene	mutSホモログ3(大腸菌)	39025_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.715	2.2149E-03
259	3550	Entrez Gene	Kサイカイン、HLAIIタケルキユレタ	1719_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.798	1.0424E-03
				2118_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.606	6.7925E-03
							4.9835E-04

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
260	5453	Entrez Gene	POUメイン、転写因子1	3367_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.606	4.5158E-03
262	363	Entrez Gene	アデニンヌクレオチドヌクレオチドラセ	34310_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.607	7.6231E-03
263	6427	Entrez Gene	スマーリング因子、アルギニン/セリンリッチ2	34310_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.619	3.4883E-03
265	79703	Entrez Gene	仮想タンパク質FLJ22531	36111_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.607	1.0792E-03
266	27292	Entrez Gene	シトルアドノシトランスクレベ	41804_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.608	1.1934E-04
267	54665	Entrez Gene	円形精子細胞増殖性タンパク質1	39883_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.609	2.6611E-03
268	513	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、ミトドリアF1複合体、δサブユニット	37828_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.626	4.8045E-03
269	AL050091	GenBank	グルタミ酸受容体、イオノチャネル型、N-メチル-D-アスパラチン酸1A//GRIN1A結合タンパク質//カルチニン酸受容体、付着チャネル型、N-メチル-D-アスパチ	37992_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.611	6.2111E-03
271	9349	Entrez Gene	リボソームタンパク質123	35736_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.611	4.7952E-03
273	23090	Entrez Gene	リボソームタンパク質423	32395_t_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.611	2.2608E-03
275	10497	Entrez Gene	unc-13ホモログ(B. elegans)	34950_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.613	2.5182E-04
276	56967	Entrez Gene	第14染色体オーナーディングフレーム132	40087_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.614	3.7491E-03
276	56967	Entrez Gene	第14染色体オーナーディングフレーム132	41637_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.614	6.2326E-04
277	8550	Entrez Gene	変性精液細胞モロク1、脂質化サチコラーゼ(ヨウソウカローゼ)	41837_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.660	1.7553E-03
278	10975	Entrez Gene	ユビキナルクトクロム還元酵素、6.4kDaサブユニット	33337_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.614	8.5255E-03
				33337_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.626	3.0395E-03
				33337_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.690	1.2271E-03
				38451_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.614	8.2100E-05

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	テキスト	遺伝子名	アロジID			比較	倍率変化	P値
				Day 0 Peri / Day 0 Control	Day 3 Peri / Day 3 Control	Day 3 Peri / Day 3 Extra			
278	10841	Entrez Gene	癌抑制遺伝子候補4	40497_at	40497_at	40497_at	0.614	9.7424E-03	
280	8663	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3, サブユニット8, 110kDa	34841_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.655	1.1667E-04	
281	50717	Entrez Gene	WD反復ドメイン42A	34841_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	Day 3 Peri / Day 0 Intra	0.615	9.0352E-03	
282	23392	Entrez Gene	KIAA0368	34823_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.776	9.4126E-03	
285	23650	Entrez Gene	3要素モチーフ含有29	34414_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	Day 0 Peri / Day 0 Peri	0.616	2.9015E-03	
286	8665	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子、サブユニット5/7/9/10、47kDa	1698_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	Day 7 Peri / Day 0 Intra	0.644	5.3735E-03	
287	7203	Entrez Gene	ショペロニン含有TCP1, サブユニット3(γ)	32576_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.617	3.0138E-03	
288	25797	Entrez Gene	グルタミルペプチドシクロアミノペプチダーゼ (グルタミルジラセ)	40774_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.617	6.5552E-03	
291	5092	Entrez Gene	6ピルボイルテトラヒドロピペリジン合成酵素/ 肝細胞核因子1α 二量体化補因子(TCF1)	34966_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	Day 0 Peri / Day 0 Peri	0.663	6.8919E-03	
292	7818	Entrez Gene	細胞死関連タンパク質3	34352_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.620	2.4354E-03	
293	U05861	GenBank	アルド-ケート還元酵素アミリフタミー-1, メバ- (ジヒドロジオアルド水素酵素 1,20-α (3-α)- ヒドロキシテロイド脱水素酵素)///アルド-ケート還元 酵素アミリ-	32805_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.621	6.7226E-03	
294	23063	Entrez Gene	KIAA0261	40085_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.623	5.5939E-03	
295	9529	Entrez Gene	BCL2関連アタシ-ン-5	36463_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.624	7.6918E-03	
296	57147	Entrez Gene	SCY1様3(S. cerevisiae)	41329_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.624	2.9063E-03	
298	10289	Entrez Gene	翻訳開始因子sui(ホモ) -プロテラシソE合成酵素	33351_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	Day 0 Peri / Day 0 Peri	0.624	5.2711E-04	
299	9536	Entrez Gene		38131_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.625	9.0721E-03	
300	22883	Entrez Gene	カルシンテニン1	41498_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	Day 3 Peri / Day 0 Intra	0.628	9.2124E-04	
				41498_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	Day 3 Peri / Day 0 Intra	0.777	3.9252E-03	

低下診断表2

【 0 2 8 1 】

遺伝子番号	公開識別子	テキスト	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
301	7520	Entrez Gene	チヤニスハムス細胞における修復欠陥を補完するX線修復5(二本鎖切断修復)Ku自己抗原、80kDa)	2093_5_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.827	1.0646E-03
303	4928	Entrez Gene	ヌクレオボリノ98kDa	38733_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.844	9.6568E-03
304	3290	Entrez Gene	ヒトヨキシステロイド(11-β)脱水素酵素1	38911_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.627	2.3405E-03
305	23351	Entrez Gene	KIAA0323	35702_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.828	6.5442E-03
306	2065	Entrez Gene	Yerb-b2赤芽球性白血病ウイルス癌遺伝子 ホエフ3(ト)	32592_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.828	8.9436E-04
307	10217	Entrez Gene	CTD(カルボン末端ドメイン)RNAポリメラーゼII、 ポリヘアチルモルホスファターゼ様	2088_3_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.629	5.0250E-03
308	23658	Entrez Gene	LSM5(モロフ)、U6核内低分子RNA結合(S. cerevisiae)	32787_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.677	7.5087E-03
309	W28548	GenBank	完全長いサトcdNA(H77E09	40196_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.630	3.3471E-03
310	4681	Entrez Gene	神経芽細胞腫、腫瘍抑制1	40196_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.735	2.0122E-03
311	6209	Entrez Gene	リボソムタンパク質S15	34270_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.631	5.2302E-03
312	8824	Entrez Gene	カルボキシンエラチセ2(腸、肝臓)	37161_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.631	1.9268E-03
313	10961	Entrez Gene	小胞体タンパク質29	37161_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.640	4.5494E-03
314	7265	Entrez Gene	テトラリコベブチド反復ドメイン	37005_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.842	6.9170E-03
315	6128	Entrez Gene	リボソムタンパク質L6	37005_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.695	1.7449E-03
316	5245	Entrez Gene	カルボキシンエラチセ2(腸、肝臓)	39816_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.633	2.4042E-03
317				39916_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.675	1.4158E-03
318				40882_at	Day 7 Peri / Day 7 Intra	0.635	7.7101E-03
319				36945_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.635	9.8901E-03
320				37321_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.635	9.2308E-04
321				37321_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.637	7.5603E-03
322				36592_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.637	8.7667E-03
				36592_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.637	3.4444E-03

低下診断-表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
323	9296	Entrez Gene	ATPアセチルトランスポーター、4kDa、Vワクチン	37395_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.638	2.2448E-03
				37395_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.722	8.6617E-04
				37395_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.810	7.4746E-03
				37395_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.840	4.0530E-03
324	1340	Entrez Gene	トクロムオキダーゼサブユニットIVbポリヘテラチド(ユビキチン)	40872_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.638	1.3105E-03
325	1891	Entrez Gene	CoAアシド水解素1、ペルオキシソーム型	32736_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.638	8.7087E-03
325	1632	Entrez Gene	ドセチルCoAδ異性化酵素 (3,2)ラクシル/3'ルCoA異性化酵素)	37902_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.639	2.3722E-03
327	1933	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1β2	35748_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.639	7.6285E-04
328	6141	Entrez Gene	リボソームタンパク質L18	31546_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.639	6.8983E-03
				31546_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.691	6.7124E-03
				31546_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.760	9.8180E-03
330	6950	Entrez Gene	t複合体1	34791_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.640	3.7040E-03
331	29760	Entrez Gene	B細胞リガーゼBCL2関連アタシント	38242_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.640	7.2677E-04
332	573	Entrez Gene		34798_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.642	4.4022E-03
333	2709	Entrez Gene	キヤフシヤングジョンタンパク質、β5(コキシジン31.1)	38903_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.643	1.7987E-03
335	11083	Entrez Gene	細胞死関連転写因子1	32045_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.644	6.8858E-03
336	10247	Entrez Gene	熱応答性タンパク質12	32113_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.645	6.3987E-03
				32113_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.659	6.9500E-03
338	899	Entrez Gene	サイクリン	35907_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.846	8.5538E-03
339	HG162- HT3165	The Institute for Genomic Research		1278_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.647	6.0118E-03
340	6139	Entrez Gene	リボソームタンパク質L17	32440_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.647	6.1617E-03
341	9521	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1ε1	40587_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.697	4.8656E-04
				40587_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.718	6.3530E-03

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	テーマリス	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
342	1054	Entrez Gene	CCAAT/Enhancer結合タバク質(C/EBP)	39219_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.647	8.7653E-03
343	7739	Entrez Gene	シングルカーボンバク質185(LIM1メイク)	32139_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.648	5.7560E-03
344	8664	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3、サブユニット7 ζ 、66.67kDa	35298_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.649	2.0180E-03
345	57418	Entrez Gene	WD反復ドメイン18 リボソムタンバク質S2	35983_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.651	3.7380E-03
346	6187	Entrez Gene		31527_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.651	6.9801E-03
347	11079	Entrez Gene	小胞体におけるRER1保留1ホモログ (S. cerevisiae)	41551_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.651	8.1132E-03
348	26211	Entrez Gene	嗅覚受容体、ファミリー2、メンバー1	31921_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.652	2.1176E-03
349	6206	Entrez Gene	リボソムタンバク質S12 KIAA0174	33117_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.652	2.4740E-03
350	9798	Entrez Gene		36942_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.653	5.6656E-03
351	122556	Entrez Gene	転写因子BTTF3ホモログ類似3	31519_f_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.653	9.2891E-03
353	4070	Entrez Gene	腫瘍関連カルシムジナルトランスフェューザ-2	291_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.654	9.5683E-03
354	7152	Entrez Gene	トボイミラセ(DNA)偽遺伝子2	291_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.655	8.7414E-03
355	4615	Entrez Gene	骨髓系分化一次応答遺伝子(88)	31680_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.654	8.0454E-03
357	9377	Entrez Gene	シクロムオキシダーゼサブユニットVa	41223_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.655	7.0989E-03
358	7386	Entrez Gene	ユピキノールシトクロムc還元酵素、 [Uk]鉄硫黄リペラト1	34401_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.656	5.8159E-03
359	4835	Entrez Gene	NAD(P)H脱水素酵素、キノ2	36880_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.657	7.2935E-03
362	HG1980- HT202	The Institute for Genomic Research		956_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.658	8.0238E-03
364	54107	Entrez Gene	ホリマラセ(DNA指向性)、ε3(p117#7ユニット)	38702_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.660	3.6355E-03
366	8192	Entrez Gene	CipPセリン分解ペプチダーゼ、ATP依存性、 カルバク質分解サブユニットホモジン(大腸菌)	32628_at	Day 7 Peri / Day 7 Intra	0.661	7.3475E-03

低下診断-表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
367	51680	Entrez Gene	LSM7結合蛋白、16核内低分子RNA結合(S. cerevisiae)	36846_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.662	8.8105E-04
368	5986	Entrez Gene	RNA結合セグメント4	35351_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.682	1.3875E-03
369	7004	Entrez Gene	TEAD1インヒビトリノン4	41037_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.662	6.4168E-04
370	3094	Entrez Gene	ヒストン三連残基スクロチド結合タンパク質1	1009_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.662	6.3134E-03
372	10557	Entrez Gene	リポスクラアセチルMRP 38kDaサブユニット	1009_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.704	8.1604E-03
373	26156	Entrez Gene	リポソツムL1ドメイン含有1	41040_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.663	2.3436E-03
374	6122	Entrez Gene	リポソツムタンパク質L3	39418_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.664	2.4392E-03
375	6176	Entrez Gene	リポソツムタンパク質、ラン、P1	31722_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.730	4.3297E-03
378	10014	Entrez Gene	ヒストンデアセチラーゼ5	31957_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.665	8.4932E-03
379	10610	Entrez Gene	ST6(α-N-アセチル-1-デミノ-2,3-β-ガラクトシル-1,3)-N-アセチルガラクサミド α-2,6-シアリルランスフェラーゼ2	34993_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.668	5.8340E-04
380	HG662-HT662	The Institute for Genomic Research	...	1151_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.669	1.5560E-03
381	10694	Entrez Gene	シャベロン含有TCP1、サブユニット8(θ)	39767_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.669	4.6792E-03
383	4856	Entrez Gene	腎芽細胞腫過剰発現遺伝子	39250_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.670	5.1134E-03
384	9314	Entrez Gene	クルペル様因子4(消化管)	36214_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.670	7.5246E-03
385	4694	Entrez Gene	NADHヒトロゲナーゼ(ユビキノン)1 αサブユニットレックス、1.7kDa	36169_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.671	5.9310E-04
386	10804	Entrez Gene	膀胱癌関連タンパク質	35265_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.815	4.1112E-03
388	10682	Entrez Gene	エモマミ 結合タンパク質(ステロイド受容体)	32536_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.672	3.7237E-03

低下診断-表2

遺伝子番号	公開識別子	テナリス	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
389	8667	Entrez Gene 40kDa	真核細胞解読開始因子3、サブユニット3γ、 40kDa	35327_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.672	5.0660E-03
395	5441	Entrez Gene キラーゼ(RNA)III(DNA指向性ポリヘテリオヌクレオチド)	35841_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.676	2.4659E-03	
396	2146	Entrez Gene zesteホモログエンハンサー-2(ショウジョウハバエ)	37305_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.677	5.6094E-03	
398	2950	Entrez Gene グルタミン/スチロスアラセナPT	37305_at 33396_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.701 0.679	9.0063E-03 6.0285E-03	
401	6156	Entrez Gene リボソームタバク質L30	33399_at 31708_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.695 0.682	5.1049E-03 4.7648E-03	
402	516	Entrez Gene ATP合成酵素、プロトン輸送性、サコントリフ0 複合体、サブユニットc(サブユニット9)、アイソフォム1	38076_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.682	3.2612E-04	
403	9128	Entrez Gene PRP4mRNA前駆体プロセシング因子4核モチフ(酵母)	37936_at 37936_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.682 0.809	1.2100E-03 4.3656E-03	
404	3028	Entrez Gene ヒドロキシアルCoA脱水素酵素、II型	40778_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.683	9.5528E-03	
405	2961	Entrez Gene 基本転写因子IIIE、ホリヘテリ2、β34kDa	40778_at 40778_at	Day 3 Peri / Day 0 Control Day 0 Peri / Day 0 Control	0.687 0.700	5.4834E-03 6.7401E-03	
406	10969	Entrez Gene EBNA-結合タンパク質2	37295_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.683	3.6406E-03	
407	6748	Entrez Gene シガナル配列受容体、δ(リソソコ)関連タンパク質6)	38515_at 38515_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra Day 7 Peri / Day 7 Control	0.683 0.684	7.3375E-03 3.2000E-03	
408	4610	Entrez Gene v-myc骨髓芽球系ウイルス癌遺伝子ホエング1、 肺癌由来(ウイ)	1490_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.684	2.9494E-04	
410	23075	Entrez Gene SWAP-70タンパク質	31899_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.684	5.9906E-03	

低下診断-表2

遺伝子番号	公開識別子	テータス	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
411	1537	Entrez Gene	シトクロムc-1	1160_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.685	9.9616E-03
412	6768	Entrez Gene	腫瘍抑制14c(結腸癌、マリアタ-セ、エビ-チ)	35309_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.685	2.8284E-03
413	6138	Entrez Gene	リボソームタバク質L15	32433_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.686	4.8021E-03
415	64976	Entrez Gene	ミトコンドリアリボソームタバク質L40	32745_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.688	7.4413E-03
416	10420	Entrez Gene	精巢特異的タバク質2	33164_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.688	8.0384E-03
417	9759	Entrez Gene	ヒストンデセチラ-セ4	35271_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.776	6.2327E-03
418	4676	Entrez Gene	スクロソーム集合タバク質1様4	32575_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.689	7.9600E-05
419	5425	Entrez Gene	ホリラセ(DNA指向性)、δ2-制御サブユニット50kDa	32575_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.820	9.3028E-03
420	6390	Entrez Gene	2バク酸脱水素酵素、サブユニットB、鉄硫黄(ip)	35751_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.689	5.7659E-03
421	162	Entrez Gene	アタバタ関連タバク質複合体1、β1サブユニット	40745_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.689	1.6623E-03
423	6749	Entrez Gene	構造特異的認識タバク質1	37739_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.690	4.8988E-03
424	4134	Entrez Gene	微小管結合タバク質4	33850_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.690	9.2919E-04
425	6832	Entrez Gene	var1抑制因子、3様(S. cerevisiae)	33850_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.747	8.7450E-03
426	10939	Entrez Gene	AFG3ATP7アセチル-ト伝子3様2(酵母)	41408_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.691	6.4202E-03
428	10570	Entrez Gene	シト-ATP7ジオセ7様4	34316_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.692	3.6552E-04
431	B337	Entrez Gene	ヒストン2、H2aa	39503_s_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.693	9.8616E-03
432	6193	Entrez Gene	リボソームタバク質S5	286_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.693	7.8013E-03
433	23492	Entrez Gene	クロモソムスモロク7	32437_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.693	1.4558E-03
434	4809	Entrez Gene	NHP2非結合染色体タバク質2様1(S. cerevisiae)	36894_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.742	3.4050E-03
				36894_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.742	1.6639E-03
				36894_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.742	3.4050E-03
				41746_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.693	5.4886E-03

低下診断-表2

遺伝子番号	公開識別子	アーティス	遺伝子名	アロジID	比較	倍率変化	P値
434	4809	Entrez Gene	NHP2非ヒストン染色体タンパク質2様 (S-ヒストン結合)	41746_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.830	6.1703E-03
436	79890	Entrez Gene	輸送タンパク質粒子複合体6A	36529_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.694	6.8032E-03
437	328	Entrez Gene	APEXヌクレアセタ(多機能性DNA修復酵素)	2025_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.695	4.9002E-03
438	84525	Entrez Gene	ホメオドメイン単独タンパク質	2025_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.746	9.3963E-03
439	2549	Entrez Gene	GRB2関連結合タンパク質1	39898_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.695	8.7289E-03
440	533	Entrez Gene	ATP7セ、アロジ輸送型、リソーム型21kDa、VOサブユニットc	39997_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.731	4.0375E-03
441	4717	Entrez Gene	NADHヒドロナゼ(ヒキシン)1、サブコンプレックス、未知、1.6kDa	38485_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.696	9.2513E-03
442	23385	Entrez Gene	ニカストリン	34835_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.696	1.6855E-03
445	4578	Entrez Gene	核内自己抗原結合タンパク質(ヒストン結合性)	33295_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.696	4.8694E-03
446	1847	Entrez Gene	二重特異性ホスファターゼ5	529_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.697	3.7478E-03
449	57017	Entrez Gene	第16染色体オブンリディングフレーム49	34810_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.700	1.2592E-03
452	539	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、ミトコンドリアF1複合体、Oサブユニット(オリゴマシン感受性付与タンパク質)	37029_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.701	5.7342E-03
453	10342	Entrez Gene	B型肝炎ウイルス結合タンパク質	38054_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.704	9.1709E-03
455	694	Entrez Gene	B細胞転座相手遺伝子1、抗増殖性	37294_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.704	5.5679E-03
457	4174	Entrez Gene	MCM5-2染色体維持欠陥5、細胞分裂周期46 (S. cerevisiae)	982_at	Day 7 Peri / Day 3 Peri	0.706	4.9235E-04
456	10278	Entrez Gene	胎児性Fyn結合基質	33803_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.706	2.0000E-05
				33883_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.718	6.1275E-04

低下診断-表2

遺伝子番号	公開識別子	データース	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
459	593	Entrez Gene	分枝鎖外酸脱水素酵素E1、αポリヘアヌチ ^ア (-フルショット尾症)	37704_at	Day 3 Per1 / Day 3 Control	0.707	1.4726E-03
460	4357	Entrez Gene	カルカドビル酸硫黄転移酵素	37704_at	Day 3 Per1 / Day 3 Extra	0.720	1.7216E-03
461	3727	Entrez Gene	Jun D癌原遺伝子	36124_at	Day 7 Per1 / Day 0 Per1	0.707	7.1338E-04
462	51635	Entrez Gene	テヒロゲナセ/レタクタセ(SDR77Aミリ)オバハ-7	41483_s_at	Day 7 Per1 / Day 0 Per1	0.707	9.7391E-03
463	23870	Entrez Gene	SAPSF(マイナフミリ-、メンハ-1 シンクフンガ)およびホメオボックス2	38814_s_at	Day 3 Per1 / Day 3 Extra	0.708	6.9810E-03
464	22882	Entrez Gene	切断点クラスター領域 トドイラセ(DNA)	36852_at	Day 3 Per1 / Day 3 Control	0.709	6.5040E-03
465	613	Entrez Gene	トドイラセ	41503_at	Day 3 Per1 / Day 0 Per1	0.709	9.7700E-05
466	7150	Entrez Gene	シトクロムcキシダセサフニコットVb	41503_at	Day 7 Per1 / Day 0 Per1	0.830	5.9812E-03
467	1329	Entrez Gene	トドイラセ	34679_at	Day 3 Per1 / Day 3 Extra	0.709	4.4827E-03
468	6888	Entrez Gene	トドイラセ	10305_at	Day 7 Per1 / Day 7 Extra	0.711	1.5853E-03
469	6888	Entrez Gene	トドイラセ	38921_at	Day 3 Per1 / Day 3 Extra	0.711	8.1985E-03
470	3184	Entrez Gene	ヘテロ核リボソムクナルバク質 (AUリチ領域RNA結合タバク質1、37kDa)	37311_at	Day 3 Per1 / Day 3 Extra	0.713	2.9353E-04
471	6050	Entrez Gene	リボヌクレアセ/アンキオケニンヒビタ-1	38016_at	Day 0 Per1 / Day 0 Extra	0.714	4.2703E-03
472	2064	Entrez Gene	v-erb-b2赤芽球性白血病ウイルス癌遺伝子ホモジ 2.神経芽細胞腫由来癌遺伝子ホモジ (HJ)	36187_at	Day 3 Per1 / Day 3 Extra	0.715	1.3879E-03
473				36187_at	Day 3 Per1 / Day 3 Control	0.730	5.3879E-03
474	79026	Entrez Gene	v-erb-b2赤芽球性白血病ウイルス癌遺伝子ホモジ AHNAK核タンパク質(テヌモキシ)	33218_at	Day 3 Per1 / Day 0 Per1	0.740	6.2999E-04
475	U77948	GenBank	基本転写因子II-1//基本転写因子II-1 癌遺伝子	37027_at	Day 7 Per1 / Day 0 Per1	0.748	8.8700E-05
				37027_at	Day 3 Per1 / Day 0 Per1	0.780	3.1374E-04
				35450_s_at	Day 0 Per1 / Day 0 Control	0.718	8.5556E-03

(90)

JP 2010-502177 A 2010.1.28

低下診断-表2

遺伝子番号	公開識別子	テータス	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
476	949	Entrez Gene	ケラズBSカベンジャ受容体、カルバ-1	41200_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.720	1.3768E-03
477	1917	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1α2	41200_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.721	1.6550E-03
478	6205	Entrez Gene	リボソームタグク質S11	35174_1_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.720	6.7372E-04
480	HG1614-HT161	The Institute for Genomic Research		32330_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.721	3.3215E-03
481	79095	Entrez Gene	第9染色体オーブンディングフレーム16	954_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.722	8.4646E-03
483	22924	Entrez Gene	微小管結合タンパク質4, RP/EB77ミリ-メント-3	954_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Intra	0.747	1.0730E-03
484	26578	Entrez Gene	破骨細胞刺激因子1	40825_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.725	1.1832E-03
485	1347	Entrez Gene	トクロムオキシダーゼサブユニットVIIa(ボリベアト2(肝臓))	467_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.765	2.4009E-03
486	3615	Entrez Gene	IMP(1/シーリン酸)脱水素酵素2	41760_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.725	7.2710E-03
487	1981	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子4γ, 1	36824_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.726	1.4279E-03
488	22934	Entrez Gene	リボスルリン酸異性化酵素A(リボスルリン酸ヒドロセラ)	32844_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.740	8.1540E-04
490	11311	Entrez Gene	液胞タンパク質ソーティング45A(酵母)	38036_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.727	9.4700E-03
491	3916	Entrez Gene	リボソーム膜タンパク質1	35779_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.729	4.9732E-03
492	23020	Entrez Gene	活性化シナルコインテグラレタ複合体サブユニット3様1	39753_f_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.731	7.1397E-03
493	10473	Entrez Gene	高移動度群ヌクレオソーム結合タンパク質4	41224_BI	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.732	1.5743E-03
494	10075	Entrez Gene	HECT、UBAおよびWWETドメイン1	35738_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.732	4.8156E-03
495	6612	Entrez Gene	シタキシン結合タンパク質1	34372_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.734	2.7323E-03
496	23511	Entrez Gene	シタキシン結合タンパク質1 -ヌクレオボリン180kDa	33942_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.735	1.7224E-03
497	HG2238-HT232	The Institute for Genomic Research		32844_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.735	9.9413E-03
498	283638	Entrez Gene	KIAA0284	329_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.736	1.6693E-03
				38592_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.788	5.7873E-03

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	テータース	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
499	30968	Entrez Gene	ストマチ(EPB72)様2	34380_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.736	6.0626E-03
501	10634	Entrez Gene	増殖停止特異的2様1	31874_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.737	7.5700E-05
502	3420	Entrez Gene	イソクチ酸脱水素酵素3(NAD+)β	31874_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.791	1.9327E-03
503	10424	Entrez Gene	プロケストロン受容体膜成分2	401119_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.737	9.0628E-03
504	8531	Entrez Gene	低温ショックタンパク質A	38821_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.738	3.9496E-03
505	5439	Entrez Gene	ホリメラセ(RNAII(DNA)指向性) ホリヘブチトJ, 13:3kDa	38821_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.746	7.1002E-03
506	10929	Entrez Gene	スプライシング因子、アルギニン/セリウムチ、46kD	38839_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.738	8.5534E-03
507	6227	Entrez Gene	リボソームタンパク質S21	1486_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.740	2.7828E-03
508	6169	Entrez Gene	リボソームタンパク質L38	1486_at	Day 7 Peri / Day 3 Peri	0.772	1.7983E-03
510	6218	Entrez Gene	リボソームタンパク質S17	32038_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.740	6.3052E-03
511	9540	Entrez Gene	腫瘍タンパク質p53誘導タンパク質3	32744_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.740	7.2902E-03
512	1327	Entrez Gene	シトクロムcキサセサユニアリバソルA1	34095_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.743	8.3557E-03
				34592_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.745	2.8146E-03
				36079_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.746	5.1335E-03
				39027_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.746	6.3689E-03
514	3030	Entrez Gene	ヒドロキシアルCoA脱水素酵素/3ケトアル- CoAチオラセ/エノルCoA加水酵素 (三機能タンパク質)	36952_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.750	6.1291E-03
				36952_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.835	2.4582E-03
516	3032	Entrez Gene	ヒドロキシアルCoA脱水素酵素/3ケトアル- CoAチオラセ/エノルCoA加水酵素 (三機能タンパク質)	38741_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.752	2.0159E-03
517	5223	Entrez Gene	ホスホグリセラムタセ1(脂)	41221_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.752	1.6814E-03
518	10638	Entrez Gene	S期応答(サイクリン関連)	1685_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.754	1.2093E-03
520	10572	Entrez Gene	CD21結合(Sive)タンパク質	39020_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.754	9.5129E-03

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローブID	比較			倍率変化	P値
					Day 0 Peri / Day 0 Control	Day 3 Peri / Day 0 Peri	Day 7 Peri / Day 0 Peri		
522	162427	Entrez Gene	仮想タバク質LOC162427	38423_at	0.735	7.1257E-03			
				38423_at	0.845	2.2722E-03			
523	10036	Entrez Gene	クロマチン構築因子1、サユニクトA(p150)	38423_at	0.848	1.7317E-03			
524	6202	Entrez Gene	リボソームタバク質S8	32889_at	0.756	2.8970E-03			
525	55218	Entrez Gene	第14染色体オブリティングフレーム114	35283_at	0.756	8.6210E-03			
527	9724	Entrez Gene	UTP14, U3核内低分子リボヌクレオチドバク質、 リモロブC(酵母)	39405_at	0.760	3.9678E-03			
528	26003	Entrez Gene	ゴルジ再構築タックンバク質2, 55kDa	35805_at	0.761	2.3291E-04			
				35806_at	0.770	2.6315E-03			
529	56829	Entrez Gene	シンクリン・CCCH型、抗ウイルス1	35882_at	0.770				
530	4601	Entrez Gene	MAXインダクタ-1	654_at	0.783	5.2959E-03			
				39072_at	0.839	6.8595E-03			
531	6293	Entrez Gene	液胞タバク質シテイング52(酵母)	32656_at	0.762	7.4217E-03			
				32658_at	0.858	6.8088E-03			
533	10067	Entrez Gene	分泌担体膜タバク質3	32739_at	0.763	8.9346E-03			
534	5437	Entrez Gene	ボリメラーゼ(RNA)II(DNA指向性)ホリバクチH	35631_at	0.764	7.2269E-03			
				35631_at	0.772	5.4217E-03			
535	6203	Entrez Gene	リボソームタバク質S9	31511_at	0.784	7.8709E-03			
536	55744	Entrez Gene	仮想タバク質FLJ10803	31610_at	0.784	2.5200E-03			
538	5036	Entrez Gene	増殖関連2G4, 38kDa	41600_at	0.785	6.8426E-03			
539	9249	Entrez Gene	デヒドロゲナーゼ/レダクターゼ(SDR77L)トドナ-3	40782_at	0.785	6.4510E-03			
540	1337	Entrez Gene	シクロムオキシダーゼサブユニットVIaホリバクチ1	41206_at	0.786	1.7769E-03			
541	23123	Entrez Gene	RUNおよびSH3ドメイン含有1	34264_at	0.786	9.1280E-03			
542	8890	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子2B、サブユニット4デルタ、 67kDa	32659_at	0.788	8.3725E-03			

低下診断-表2

遺伝子番号	公開識別子	テータース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
543	203069	Entrez Gene	R31H+メノおよびコイルコイル含有1	35198_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.769	8.4083E-03
544	7529	Entrez Gene	チロシン3-モノキシゲナセ/トリフオブン5-モノキシゲナセ活性化カバク質、βボリペプチド	32324_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.769	5.4500E-03
545	23294	Entrez Gene	アンキリ反復およびスティルαモチーフドメイン含有1	40971_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.795	3.4853E-03
546	29	Entrez Gene	活性BCR関連遺伝子	38058_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.771	7.8298E-03
547	1937	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子γ	39058_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.795	8.8684E-03
548	147179	Entrez Gene	WIREタバク質	1676_s_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.771	8.5875E-03
553	8480	Entrez Gene	RAE1RNA搬出1ホモログ(S. pombe)	40787_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.772	8.6910E-04
558	3163	Entrez Gene	ヘムオキシゲナセ(デサイクリン)2	32757_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.778	1.2850E-03
559	22854	Entrez Gene	KIAA1002タバク質	32758_g_at	Day 7 Peri / Day 7 Intra	0.785	2.2519E-03
560	23307	Entrez Gene	KIAA0674	37916_at	Day 7 Peri / Day 3 Peri	0.781	9.4119E-03
562	9903	Entrez Gene	ケルヒ様2(シオウジョウハエ)	41366_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.781	8.7647E-03
563	5236	Entrez Gene	ホスホルコムターゼ1	31826_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.783	2.4933E-03
565	2975	Entrez Gene	基本転写因子IIIc、ボリペプチド1、α220kDa	37230_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.786	5.6275E-03
566	10956	Entrez Gene	骨肉腫増幅	32210_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.812	4.4608E-03
567	1201	Entrez Gene	セロトリボン7a+沈着症、神経型3、若年性 (ハラテスヒューリマニア-オクト)病)	35671_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.791	3.1660E-03
569	527	Entrez Gene	ATP7Aセ、クロソ輸送型、リソーム型16kDa、VOサフュニトc	36985_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.791	9.0785E-03
570	8720	Entrez Gene	ATP7Aセ、クロソ輸送型、リソーム結合型転写因子ヘチダセ、部位1	36986_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.792	5.8473E-03
571	3151	Entrez Gene	高移動度群ヌクレオソーム結合トメイン2	36984_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.794	8.6116E-03
572	286440	Entrez Gene	仮想タンパク質LOC286440	41231_f_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.795	9.8019E-03
573	6136	Entrez Gene	リボソームタンパク質L12	41231_f_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.827	4.3201E-03
575	445	Entrez Gene	アルキニコバク酸合成酵素	41655_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.795	9.4134E-03
576	11224	Entrez Gene	リボソームタンパク質L35	38668_at	Day 7 Peri / Day 3 Peri	0.797	2.3409E-03
				40541_at	Day 7 Peri / Day 3 Peri	0.799	7.5623E-03
				41765_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.800	6.9298E-03

低下診断-表2

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
577	11258	Entrez Gene	ダイナクチン3(p22)	40410_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.808	6.4549E-03
578	4779	Entrez Gene	核因子(赤芽球由来2)様1	38439_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.811	5.5209E-03
579	149503	Entrez Gene	リンク(ペル)タンパク質187	39722_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.872	7.5346E-03
580	8818	Entrez Gene	トリキルリ酸アノニル転移酵素ドリベーフチト2、調節サブユニット	38726_at	Day 7 Peri / Day 3 Peri	0.814	3.7920E-03
581	823	Entrez Gene	カルバイン1、(mu/l)大サブユニット	33908_at	Day 7 Peri / Day 3 Peri	0.815	9.2186E-03
582	5438	Entrez Gene	トリラセ(RNA)(DNA)指向性ボ'ベーフチト1、14.5kDa	34828_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.816	8.6878E-03
583	6720	Entrez Gene	ステロール制御領域結合転写因子1	32135_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.819	6.4366E-03
584	23833	Entrez Gene	カリオフレリンα6(インボルチンα7)	40276_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.824	1.6981E-03
585	7534	Entrez Gene	チロシン3モ'キシゲナゼ/トリプトファン5-セオキシゲナセ、活性化タンパク質、(c)ボ'ベーフチト	1235_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.824	9.9973E-03
586	23481	Entrez Gene	pescadilloホモログ1、BRCCTドメイン含有(セアラフィン)	41089_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.831	9.3685E-03

【 0 2 9 3 】

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	アロ-7ID	比較		倍率変化	P値
					Day 3 Peri / Day 3 Control	Day 3 Peri / Day 3 Control		
1	4250	Entrez Gene	セクレトグロビン、77ミリ-2A メバ-2	36329_at	0.131	2.0793E-03		
3	10647	Entrez Gene	セクレトグロビン、77ミリ-10 メバ-2	32880_at	0.211	2.5582E-03		
5	2167	Entrez Gene	脂肪細胞型脂防酸結合タンパク質4	38430_at	0.219	8.7014E-03		
11	563168	Entrez Gene	第1染色体オーナーディングフレーム68	31326_at	0.138	7.6909E-03		
14	3205	Entrez Gene	ホオホオホックスA9	31326_at	0.214	6.7718E-03		
15	7136	Entrez Gene	トロボニル2型(速筋型)	37809_at	0.180	5.0202E-03		
17	6210	Entrez Gene	リボソームタンパク質S15a	38457_at	0.185	5.1425E-04		
28	10781	Entrez Gene	リボソームタンパク質S15a	34316_at	0.241	3.8100E-05		
29	4128	Entrez Gene	モノアミン酸化酵素A	34316_at	0.241	3.8100E-05		
37	23016	Entrez Gene	エキソソーム成分	34316_at	0.432	2.3230E-04		
38	23352	Entrez Gene	網膜芽細胞腫関連因子600	41621_at	0.350	5.4116E-04		
46	54	Entrez Gene	トロボニル2型(速筋型)	41771_g_at	0.484	2.4030E-03		
49	63928	Entrez Gene	肝細胞癌抗原遺伝子520	33294_at	0.369	2.9368E-04		
50	5055	Entrez Gene	トロビンペチダセ脱苦素剤、ルートB(メチルジミジ、メバ-2	33294_at	0.453	3.7410E-04		
51	5354	Entrez Gene	DEAD(Asp-Glu-Ala-Asp)ホタクスピリペプチド17	33860_at	0.369	5.2550E-04		
52	642	Entrez Gene	トロビンペチダセ脱苦素剤、ルートB(オキアルノミン)、メバ-7	35563_at	0.383	2.2472E-03		
53	10443	Entrez Gene	トロビンペチダセ脱苦素剤、ルートB(オキアルノミン)、メバ-7	35577_at	0.385	4.8105E-04		
54	54	Entrez Gene	酒石酸耐性酸性ホスファターゼ5	677_s_at	0.452	4.0374E-03		
55	90634	Entrez Gene	トロビンペチダセ脱苦素剤、ルートB(メチルジミジ、メバ-2	36113_s_at	0.371	6.4628E-03		
				36113_s_at	0.452	4.3070E-03		
				36113_s_at	0.369	5.2550E-04		
				33860_at	0.374	1.4026E-03		
				33860_at	0.369	2.9368E-04		
				33007_at	0.394	7.4079E-03		
				37105_at	0.399	5.5226E-03		
				Day 0 Peri / Day 0 Control	0.544	4.8737E-03		
				Day 0 Peri / Day 0 Control	0.544	4.8737E-03		
				Day 3 Peri / Day 3 Control	0.404	6.8138E-03		
				Day 0 Peri / Day 0 Control	0.406	9.9584E-04		
				Day 3 Peri / Day 3 Control	0.567	4.1852E-03		
				Day 3 Peri / Day 3 Control	0.445	7.4223E-03		
				Day 0 Peri / Day 0 Control	0.410	2.0469E-03		
				Day 3 Peri / Day 3 Control	0.515	2.5140E-03		

低下診断-表3

遺伝子番号	公開識別子	テーリス	遺伝子名	アローフID	比較	倍率変化	P値
59	10001	Entrez Gene	RNAリマセDNA翻写活性化・サブユニット6ホモログ (酵母)	35430_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.427	4.0549E-03
60	97	Entrez Gene	アルホスファセ1、赤血球型(一般型)	33334_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.427	3.3326E-03
63	51097	Entrez Gene	サカロニン脱水素酵素(推定)	34863_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.430	9.0435E-03
64	2217	Entrez Gene	IgGF2ラグメント、受容体、トランスポーター、α	31431_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.430	7.9132E-04
65	1963	Entrez Gene	IgGF2ラグメント、受容体、トランスポーター、α	167_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.431	3.2376E-04
71	HG3570-HT377	The Institute for Genomic Research	真核細胞翻訳開始因子5	936_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.437	1.3929E-04
				936_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.554	6.0851E-03
74	8906	Entrez Gene	アラタタンハク質複合体1、γ2サブユニット	38798_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.441	6.9369E-03
77	9524	Entrez Gene	糖タンパク質、シナプス2	38798_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.480	6.4030E-03
78	91137	Entrez Gene	仮想タンパク質BC017169	38966_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.444	3.9851E-03
79	56288	Entrez Gene	par-3ペティヨニクガ欠陥3ホモログ(C. elegans)	37178_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.530	1.4148E-03
81	260294	Entrez Gene	カリアムスピチュン症候群染色体領域20C	40973_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.449	3.9314E-03
83	131544	Entrez Gene	仮想タンパク質DKFZp667G2110	41258_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.451	2.5569E-03
86	10181	Entrez Gene	RNA結合モチタンパク質5	41274_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.589	7.6530E-03
94	10450	Entrez Gene	ヘプチルプロリ異性化酵素E(シクロフリゾンE)	1556_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.460	1.4047E-03
95	HG1112-HT111	The Institute for Genomic Research	ヘプチルプロリ異性化酵素E(シクロフリゾンE)	34365_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.473	5.7231E-03
99				1839_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.555	9.8116E-03
103	10314	Entrez Gene	ヘプチルプロリ異性化酵素E(シクロフリゾンE)	39441_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.482	2.7594E-03
109	26039	Entrez Gene	スフィンミエリンホスホジエステラーゼ様3A	39950_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.493	8.6125E-03
113	6490	Entrez Gene	第18染色体滑膜肉腫伝子様1	31903_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.493	1.3274E-03
115	4176	Entrez Gene	シルバーホモログ(マカウ)	36327_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.512	5.3833E-04
			MCM7ミニクロマトーム維持欠陥7(S. cerevisiae)	947_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.495	7.8436E-04

低下診断-表3

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
116	2197	Entrez Gene	普通的発現Finkelman-Blush-Rileyマウス肉腫ウイルス(FBR-MuSV)由来のLmダク質S30	31955_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.498	8.3003E-03
118	4898	Entrez Gene	ナルシシン(ニコチンアミドアセチル基)	34787_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.499	2.6275E-03
123	1573	Entrez Gene	シクロP450_7Aミリ-2, サフファミリ-2, ホリヘプチド2	501_9_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.505	2.0051E-03
130	U18300	GenBank	損傷特異的DNA結合タンパク質2, 48kDa//LIMホメオドングル3	1243_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.611	4.6848E-04
132	51706	Entrez Gene	シクロムバシダクタセ1	1243_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.556	6.7443E-03
141	57613	Entrez Gene	KIAA1467タンパク質	35329_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.513	1.8890E-03
142	2647	Entrez Gene	リソム関連カルネラ複合体1, サブユニットの生成	41826_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.520	5.9389E-03
148	4713	Entrez Gene	NADHビオガナーゼ(ヒドロキシ)1 βサブユニットの生成	39133_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.520	1.5729E-03
150	771	Entrez Gene	炭酸脱水酵素XII	35773_1_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.525	1.8840E-03
151	56187	Entrez Gene	液胞タンパク質: テンク13D(酵母)	36454_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.526	3.3461E-03
152	495	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、トコトリ7F1複合体、αサブユニット、7F1オム1、心筋	32743_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.619	1.5269E-03
158	5985	Entrez Gene	複製因子C(活性化因子1)5, 36.5kDa	40096_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.527	6.5302E-03
				40096_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.563	2.0338E-04
159	5110	Entrez Gene	タツバク質L-イソバラチオン酸(D-アスパラギン酸)O-チル基転移酵素	663_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.533	6.1850E-03
160	113146	Entrez Gene	第14染色体オブリティングフレーム78	37738_9_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.678	3.6789E-03
165	10124	Entrez Gene	ADP-ボルヒ化因子様4	36497_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.535	3.4244E-03
166	10653	Entrez Gene	セリンペプチダセ阻害剤、ケニッタツイ2	33796_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.537	6.8833E-03
167	10434	Entrez Gene	リソムホスホリバセ1	34348_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.573	9.4449E-03
170	80308	Entrez Gene	Fad1、アビシアニンクオチシタセ、ホモロク酵母	32956_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.541	7.9887E-03
173	23345	Entrez Gene	スベクトリ反復含有、核膜1	38113_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.546	3.5087E-04
175	80208	Entrez Gene	仮想タンパク質FLJ21439	40615_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.546	5.1650E-03

低下診断-表3

遺伝子番号	公開識別子	データース	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
180	9927	Entrez Gene	ミトアシン2	34369_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.549	2.5016E-03
182	2145	Entrez Gene	zesteホモログ1ンハンサ-2(ショカシヨカハイ)	32259_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.593	1.0987E-03
183	2959	Entrez Gene	基本転写因子3B	1070_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.556	4.5246E-03
185	4736	Entrez Gene	リボソームタンパク質L10a	36786_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.592	1.4203E-03
186	644	Entrez Gene	ヒリベルシンダクタセA	36786_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.622	8.0988E-04
187	9665	Entrez Gene	linkain b1	32618_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.668	3.0374E-03
191	11336	Entrez Gene	SEC61 ¹ (S. cerevisiae)	32618_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.557	3.0869E-04
192	7009	Entrez Gene	精巢増強遺伝子転写産物(BAX)ンビタ-1)	33988_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.677	7.9770E-03
193	23107	Entrez Gene	ヒコントリアリボソームタンパク質S27	39277_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.571	9.8895E-03
194	50	Entrez Gene	アコニタセ2、ミコトドリア型	160449_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.562	5.6984E-03
195	2746	Entrez Gene	グルタミン酸デヒドロゲナーゼ	316919_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.563	6.9886E-03
198	6166	Entrez Gene	リボソームタンパク質L36a	398956_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.568	7.8476E-03
199	7175	Entrez Gene	転座プロモータ領域(活性化したMET癌遺伝子への)	421_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.569	3.6369E-03
202	10553	Entrez Gene	HIV-1 Tat結合タンパク質2、30kDa	38824_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.571	7.2789E-03
203	115817	Entrez Gene	デヒドロガナセ/レタタセ(SDR77M1)トガナハ-1	391035_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.571	2.11724E-04
205	25963	Entrez Gene	DKFZP564G2022P/ハク質	40437_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.572	3.2143E-03
206	1212	Entrez Gene	ケラチン、絆鏡ホペチド(lcb)	32523_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.573	4.0809E-03
207	1652	Entrez Gene	DTpハム互変異性酵素	3741_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.573	7.7105E-03
216	4729	Entrez Gene	NADHデヒドロゲナーゼ(ヒキノンラボタンパク質2、24kDa)	34393_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.581	9.2931E-03
217	987	Entrez Gene	LPS応答性小胞輸送、ビ子およびアカ含有	35371_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.582	1.9335E-03
222	10980	Entrez Gene	COP9構成的光形態形成核セグメント(Arabidopsis)	40138_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.584	6.5666E-03
228	645	Entrez Gene	ヒリベルシンダクタセB(フェンダクタセ(NADPH))	37002_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.588	8.3451E-04
232	10476	Entrez Gene	ATP合成酵素、アミン輸送性ミコトリFF0複合体、サウ	35750_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.738	8.9277E-03
233	7022	Entrez Gene	転写因子AP-2 γ (活性化エンサ結合タンパク質2 γ)	40303_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.591	7.9662E-03

低下診断-表3

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
235	23185	Entrez Gene	Larvophilin/カク質トイノフミリニ、メハニ	32586_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.591	3.7384E-03
241	8673	Entrez Gene	小胞結合膜タンパク質8(エンドフレン)	32586_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.685	8.4169E-04
243	4255	Entrez Gene	O-6-メチルケニン-DNAメチルランスマーカー	32715_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.628	1.3473E-03
246	11188	Entrez Gene	nischarin	2051_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.594	5.4697E-03
250	4775	Entrez Gene	活性化T細胞核因子、細胞質性、カルシニコリク依存性3	33916_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.595	3.7132E-03
252	4790	Entrez Gene	B細胞のκ軽鎖ホリペプチド遺伝子エンハンサ-の核因子1(p105) (p105)	33916_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.647	6.0432E-03
254	26135	Entrez Gene	SERPINE1 mRNA結合タンパク質1	40440_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.646	7.6400E-03
257	AI557912	GenBank	ミコントリア外膜タンパク質モロフ(酵母)///仮想タンパク質LOC201725	38025_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.599	7.7405E-03
259	3550	Entrez Gene	JKサルカイン、HLAII型タンパク質レーター	218_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.606	4.9835E-04
262	353	Entrez Gene	アーニホルストタンスマーカー	34310_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.607	7.6231E-03
265	79703	Entrez Gene	仮想タンパク質FLJ22531	41804_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.608	1.1934E-04
268	513	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロト輸送性、ミコントラクトン複合体、6サブユニット	37992_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.611	6.2111E-03
269	AL0500091	GenBank	グルタミン酸受容体、イオンチャネル型、N-チル-D-アスパラギン酸様1A//GRIN1A結合タンパク質///グルタミ酸受容体、イオンチャネル型、N-チル-D-アスパラギン酸様1B(C. elegans)	35736_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.611	4.7952E-03
275	10497	Entrez Gene	unc-13ホモログ(B(C. elegans)	40087_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.614	3.7491E-03
277	8560	Entrez Gene	変性酵娘細胞ホモログ1、脂質デサチュラセ(ショウジョウバエ)	33337_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.614	8.5255E-03
278	10975	Entrez Gene	ヒキカルトクロム還元酵素、6.4kDaアラニット	33337_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.626	3.0395E-03
279	10641	Entrez Gene	癌抑制遺伝子候補4	38451_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.614	8.2100E-05
281	50717	Entrez Gene	WD反復ドメイン42A	40497_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.614	9.7424E-03
				40497_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.655	1.1667E-04
				38823_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.616	2.8015E-03

低下診断-表3

遺伝子番号	公開識別子	テーナリス	遺伝子名	プロ-7ID		比較	倍率変化	P値
				Day 0	Day 7			
291	5092	Entrez Gene	6七ニルボイルトロドリジン合成酵素/肝細胞核因子1α 二量体化補因子(TCF1)	34352_at	Day 7 Peri / Day 0 Control	0.620	2.4354E-03	
292	7818	Entrez Gene	細胞死関連タンパク質3	1356_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.621	1.4788E-03	
294	23963	Entrez Gene	KIAA0261	40086_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.623	5.5939E-03	
296	57147	Entrez Gene	SCY1-like3(S. cerevisiae)	41329_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.624	2.9063E-03	
300	22983	Entrez Gene	カルシンテニン1	41498_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.626	9.2124E-04	
301	7520	Entrez Gene	チャニスハムスター細胞における修復欠陥を補完するX線修復5(二本鎖切断修復) Ku自己抗原, 80kDa	20935_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.627	1.0646E-03	
305	23351	Entrez Gene	KIAA0323	38733_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.644	9.6568E-03	
306	20865	Entrez Gene	v-erb-b2赤芽球性白血病ウイルス癌遺伝子ホモログ3(N)	32592_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.628	6.9436E-04	
307	10217	Entrez Gene	CTDカルボキシ末端トキン RNAトリマセII ボリヘアド・アスカルボリスマセII様	40196_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.550	3.3471E-03	
308	23658	Entrez Gene	LSM5ホモログ、U6核内低分子RNA結合(S. cerevisiae)	34270_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.631	1.9266E-03	
309	W28948	GenBank	完全长インサートcDNAYH77E09	37161_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.640	6.9170E-03	
314	6209	Entrez Gene	リボソームタンパク質S15	39916_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.633	1.4158E-03	
317	10961	Entrez Gene	小胞体タンパク質29	39916_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.676	7.7101E-03	
318	7265	Entrez Gene	トトボンハバド反復トドン1	36845_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.635	9.2309E-04	
323	9296	Entrez Gene	ATPアーゼ、ブロッコド輸送型、リゾーム型14kDa、 V1サブユニットF	37221_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.635	7.5503E-03	
326	1632	Entrez Gene	ドセチルCoAδ異性化酵素 (3,25シスエイルCoA異性化酵素)	37395_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.722	8.6817E-04	
328	6141	Entrez Gene	リボソームタンパク質L18	37982_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.639	2.3722E-03	
332	573	Entrez Gene	BC12関連タンパク質	31546_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.639	6.9953E-03	
335	11083	Entrez Gene	細胞死関連転写因子1	34798_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.642	4.4022E-03	
336	10247	Entrez Gene	細胞死活性タンパク質12	32045_at	Day 0 Peri / Day 3 Control	0.644	6.8638E-03	
343	7739	Entrez Gene	シクロフィンタンパク質185(LIM-14)	32173_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.659	6.9500E-03	
				32139_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.648	5.7560E-03	

低下診断表3

遺伝子番号	公開識別子	データリス	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
348	26211	Entrez Gene	嗅覚受容体、7アミリ2、サブアミリ2、ドバ-1	31921_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.652	2.1176E-03
350	9798	Entrez Gene	KIAA0174	38942_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.653	5.6656E-03
353	4070	Entrez Gene	座鳩関連カルシウムシグナルransデューサー2	291_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.654	9.5683E-03
359	4835	Entrez Gene	NAD(P)H脱水素酵素、キノ2	36880_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.657	7.2935E-03
367	51690	Entrez Gene	LSM7核小体、U6核内小分子RNA結合(S. cerevisiae)	36846_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.662	8.8105E-04
378	10014	Entrez Gene	ストレスアセチラーゼ5	38810_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.667	1.7702E-04
380	HG682-HT682	The Institute for Genomic Research	—	1151_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.669	1.5550E-03
385	4694	Entrez Gene	NADHヒドロゲナーゼ(ユビキン)1αサブエニブレクス、1.7.5kDa	36169_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.671	5.9310E-04
389	88667	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3、サブユニット3γ、40kDa	36169_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.710	9.3035E-03
395	5441	Entrez Gene	ボリメラーゼ(RNA)II(DNA指向性ホリベブチル7.6kDa	35327_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.672	5.0660E-03
404	3028	Entrez Gene	ヒドロキシアルCoA脱水素酵素、Ⅱ型	35841_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.576	2.4559E-03
407	6748	Entrez Gene	シグナル配列受容体、6(トランスコン)開連タバク質5	40778_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.683	9.5528E-03
411	1537	Entrez Gene	シグナル配列受容体、6(トランスコン)開連タバク質5	40778_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.700	6.7401E-03
415	64976	Entrez Gene	シグナル配列受容体、6(トランスコン)開連タバク質5	38635_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.684	3.2000E-03
418	4676	Entrez Gene	シグナル配列受容体、6(トランスコン)開連タバク質5	1160_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.685	9.9616E-03
431	8337	Entrez Gene	シグナル配列受容体、6(トランスコン)開連タバク質5	32745_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.688	7.4413E-03
433	23492	Entrez Gene	シグナル配列受容体、6(トランスコン)開連タバク質5	32575_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.689	7.9600E-05
434	4809	Entrez Gene	シグナル配列受容体、6(トランスコン)開連タバク質5	286_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.693	7.8013E-03
437	328	Entrez Gene	NHP2非ヒストン染色体タバク質2様(S.	38894_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.693	8.8784E-03
440	533	Entrez Gene	NHP2非ヒストン染色体タバク質2様(S.	41746_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.693	5.4886E-03
445	4678	Entrez Gene	APEXメタラーゼ(多機能性DNA修復酵素)1	2025_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.695	4.9002E-03
449	57017	Entrez Gene	ATP7セ、プロト-輸送型、リツ-ト型21kDa、VOサブユニットc	36167_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.696	9.2513E-03
453	10642	Entrez Gene	核内自己抗原精子タバク質(ヒストン結合性)	33255_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.696	9.0975E-03
			第16染色体ホーリングフレーム49	34610_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.700	1.2592E-03
			巨型肝炎ウイルス結合タバク質	38054_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.704	9.1709E-03

低下診断表3

遺伝子番号	公開識別子	データリス	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
459	593	Entrez Gene	分枝鎖外酸脂水素酵素E1、αボリヘブチド(メバ)	37704_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.707	1.4726E-03
463	22870	Entrez Gene	SAPS1メイノフミリーメンバー-1	36862_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.708	8.5040E-03
471	6050	Entrez Gene	リボヌクレアーゼ/ヌクレオキナシンビタ-1	36187_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.730	5.3879E-03
475	U77946	GenBank	基本転写因子II、i//基本転写因子II、i、偽遺伝子1	35450_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.718	8.5556E-03
480	HG1614-H1161	The Institute for Genomic Research	-	954_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.722	8.4646E-03
483	10473	Entrez Gene	高移動度群スルコラーム結合ドメイン4	35738_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.732	4.8156E-03
498	28368	Entrez Gene	KIAA0284	38892_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.788	5.7373E-03
506	10929	Entrez Gene	スラブシング因子、アルキニン/セリウム、46KD	32038_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.740	6.3052E-03
514	3030	Entrez Gene	ヒドロキシアルCoA脱水素酵素/3-ケタアルル-CoA CD27結合(Siva)ダバク質	36952_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.835	2.4582E-03
520	10572	Entrez Gene	CD27結合(Siva)ダバク質	39020_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.754	9.5129E-03
522	162427	Entrez Gene	胚想タバク質LOC162427	3823_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.755	7.1257E-03
525	55218	Entrez Gene	第14染色体オブリテングフレーム114	35283_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.759	7.7804E-04
529	56829	Entrez Gene	シンクワク-COCH型、抗ケルヌ	35682_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.761	2.0789E-04
531	6293	Entrez Gene	液胞タバク質ノティング52群母	32588_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.762	7.4217E-03
542	8890	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子2B、サブユニット4テル4、67kDa	32659_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.768	8.3725E-03
546	29	Entrez Gene	活性BCR関連遺伝子	39058_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.771	7.8298E-03
550	23307	Entrez Gene	KIAA0674	31926_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.783	2.4933E-03
557	1201	Entrez Gene	ヒドロキスチン沈着症、神経型3、若年性(バクテリカルマニア-ホルト病)	497_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.792	5.8473E-03
577	11258	Entrez Gene	タイケチ3(p22)	40410_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.808	6.4549E-03
582	5438	Entrez Gene	カリムラセ(RNAAIII(DNA指向性ボリヘブチル、14.5kDa)	34828_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.816	8.6878E-03

低下診断-表4

遺伝子番号	公開識別子	データリス	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
166	10653	Entrez Gene	セリンペプチダーゼ阻害剤、ケツチタブリ、2	34348_at	Day 3_Perf / Day 3_Control	0.537	9.4449E-03
				34348_at	Day 0_Perf / Day 0_Control	0.573	7.9326E-03

【 0 3 0 2 】

10

20

30

40

低下診断-表5

遺伝子番号	公開識別子	アーティス	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
141	57613	Entrez Gene	KIAA1467タバコ葉	41826_at	Day 0_Ref / Day 0_Control	0.520	5.9389E-03
300	22883	Entrez Gene	カルシテニン	41498_at	Day 3_Ref / Day 3_Control	0.626	9.2124E-04

【 0 3 0 3 】

低下診断-表6

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロ-ジ-ID	比較	倍率変化	P値
250	4775	Entrez Gene	活性化工細胞核因子、細胞質性、カシニコラ依存性3	40822_at	Day 0 Perf / Day 0 Control	0.597	3.4027E-03
252	4790	Entrez Gene	日細胞のK-絆鎖ホリヘブト遺伝子エンハンサ-の核因子1 (p105)(p105)	1378_at	Day 0 Perf / Day 0 Control	0.646	7.6400E-03
378	10014	Entrez Gene	ヒストンデアセチラセ-5	38810_at	Day 3 Perf / Day 3 Control	0.667	1.7702E-04

【 0 3 0 4 】

低下診断表7

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	アロ-7ID	比較	倍率変化	P値
202	10553	Entrez Gene	HIV-1 Tat結合タンパク質2、30kDa	36824_at	Day 3 Perl / Day 3 Control	0.571	7.2788E-03

【 0 3 0 5 】

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
11	553168	Entrez Gene	第1染色体オブンリティングフレーム68	31326_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.288	7.8740E-03
14	3205	Entrez Gene	ホメボックスA9	37809_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.237	8.7426E-03
17	6210	Entrez Gene	リボソムランバク質S15a	37809_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.314	9.1991E-03
22	M57951	GenBank	UDPグルクロン酸転移酵素(アミノ-ボリペチド) A10//UDPグルクロン酸転移酵素(アミノ-ボリペチド) A7//UDPグルクロン酸転移酵素1family	32392_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.476	1.5785E-04
26	5271	Entrez Gene	トリニティボリゲン酸阻害剤、ルートB(オルアルノミン)、メバチニ	36312_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.331	4.7432E-04
29	4128	Entrez Gene	チアミン酸化酵素A	41772_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.351	3.2109E-03
38	23352	Entrez Gene	細膜芽細胞腫関連因子600	41772_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.614	6.2007E-03
42	10521	Entrez Gene	DEAD(Asp-Glu-Ala-Asp)ホクスピロリペチド17	33880_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.549	6.8632E-03
45	3502	Entrez Gene	ホスホンフクAS	33880_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.579	3.8353E-03
46	54	Entrez Gene	酒石酸耐性酸性ホスファセ-5	873_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.577	6.8649E-03
58	10158	Entrez Gene	PCZK1結合タンパク質1	677_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.387	6.1920E-03
65	1983	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子5	31610_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.672	8.0184E-03
				167_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.421	4.1131E-03
70	2618	Entrez Gene	ホスホリボンクルリソルブンミドホルミルトランフェラーゼ、 ホスホリボンクルリソルブンミドシテタセ、ホスホリボ ンクルミミタツボンクルシテタセ	38394_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.436	8.9104E-03
72	53335	Entrez Gene	B細胞CLL/リバ腫1A(シングルガタノバク質)	41356_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.438	5.3163E-03
80	26154	Entrez Gene	ATP結合カセト、サフアミリA(ABC1)、メバチニ-12	31754_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.453	4.6700E-03
82	1410	Entrez Gene	クリスタリソ、αB	32242_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.454	8.8595E-03
84	10733	Entrez Gene	リボソムキナセ4(ヨウショウカハ)I	975_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.459	4.3449E-03
95	HC1112	The Institute for Genomic Research		1839_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.473	1.6274E-03
97	4129	Entrez Gene	チアミン酸化酵素B	37628_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.475	8.4098E-04
106	8634	Entrez Gene	RNA末端リボンクラセトメソ1	35195_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.489	1.6326E-03

低下診断-表8

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロ-ジD	比較	倍率変化	P値
108	7262	Entrez Gene	ブレックストリンホモジノ酸ドメイン, ナイア, ナバ ⁺ 2	31688_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.490	4.0424E-03
110	1525	Entrez Gene	コカシキウイルス・アデノウイルス受容体	37534_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.493	7.3178E-03
112	11072	Entrez Gene	二重特異性ホスファターゼ14	38272_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.494	1.4839E-03
113	6490	Entrez Gene	カルバ・ホセロ(マカス)	38377_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.497	4.4983E-04
119	6662	Entrez Gene	SRY(性決定領域Y)ホスカス9(屈曲肢異形成症、常染色体逆性)	33436_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.500	5.3219E-03
120	2114	Entrez Gene	vets赤芽球症ウイルスE26癌遺伝子ホモログ2(トリ)	38739_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.501	4.4662E-03
129	9833	Entrez Gene	母体胎芽ロイシンジパク質キナーゼ	38847_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.510	9.6404E-03
136	2013	Entrez Gene	上皮膜タンパク質2	39631_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.517	3.1103E-03
144	AF086870	GenBank	3要素ホスカス含有16///3要素ホスカス含有16類似、Iストロン応答Bホスカスタンパク質	36881_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.521	1.0549E-04
150	771	Entrez Gene	炭酸脱水酵素XII	35275_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.660	1.2844E-03
154	242	Entrez Gene	7-キドン酸12-ホキシナセ、12R型	33029_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.530	9.3336E-03
169	123	Entrez Gene	脂肪分化関連タンパク質	34378_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.542	1.2411E-03
176	202	Entrez Gene	absent in melanoma 1	32112_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.547	1.9891E-03
178	5268	Entrez Gene	トリビンペプチダーゼ阻害剤、クレトB(オルアルブミン)、ナバ ⁺ 5	852_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.548	8.5245E-03
180	9927	Entrez Gene	トリジン2	862_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.576	5.9841E-03
185	4736	Entrez Gene	ホスカスタンパク質L10a	34389_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.635	6.4361E-03
186	644	Entrez Gene	ヒリヘルシルダクターゼA	36786_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.566	7.2273E-04
188	3033	Entrez Gene	L-3セトロキシジカルCoAデヒドロゲナーゼ、短鎖	32618_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.620	3.2950E-04
				35435_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.558	7.5277E-03
				35435_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.692	5.5220E-03
190	55651	Entrez Gene	核小体タンパク質アミニア、ナバ ⁺ 2(H-ACA核小体低分子RNA)	41322_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.559	1.2634E-03
191	11336	Entrez Gene	SEC6様1(S. cerevisiae)	37597_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.566	9.6420E-04
192	7009	Entrez Gene	精巢増強遺伝子転写産物(BAXイントビタ-1)	33988_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.582	8.2347E-04
193	23107	Entrez Gene	ミコントリオリソムタンパク質S27	39377_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.581	3.7750E-03
201	171546	Entrez Gene	第14染色体オブソリティングフレム147	33398_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.571	4.6886E-03

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
202	10553	Entrez Gene	HIV-1 Tat結合タンパク質2, 30kDa	38824_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.592	5.7073E-03
203	115817	Entrez Gene	チトロゲナーゼ/レターゼ (SDRワリオタミバーノンセングおよびセンブリ構構成分50kDaモル (S. cerevisiae)	39103_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.601	5.7200E-03
204	25813	Entrez Gene		34845_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.572	1.2889E-03
208	27335	Entrez Gene	真核細胞解説開始因子3、サブユニット12	31492_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.574	7.4544E-04
209	217	Entrez Gene	アルデヒド脱水素酵素2/ミリオニコントリア型)	32747_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.574	5.1549E-04
210	10049	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ、サブファミリーB、サブハーフ	41234_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.577	3.8743E-03
214	11066	Entrez Gene	U11/U12snRNPs35K	41029_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.580	1.0146E-03
216	4729	Entrez Gene	NADHデヒドロゲナーゼ(ヒキシソラボタンパク質2, 24kDa	34893_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.600	1.3243E-03
217	987	Entrez Gene	LPS応答性小胞輸送、ビーチおよびアンカ含有	35371_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.618	2.4693E-03
220	7295	Entrez Gene	チオレドキシ	36982_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.583	3.0827E-03
229	8581	Entrez Gene	リバーブ球抗原6複合体、D道伝子座	35284_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.589	1.9293E-03
232	10476	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、ミトコンドリオ複合	35760_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.590	1.5912E-03
234	2806	Entrez Gene	グルミン酸オキサロ酢酸アミノ基転移酵素2、ミトコンドリア型(アスパラギン酸アミノ基転移酵素2)	40764_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.591	2.0500E-03
235	23185	Entrez Gene	Laリボ核タンパク質ドメインワーフィー、サブハーフ	32585_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.782	5.1596E-03
237	708	Entrez Gene	補体成分1、qサコンボーキント結合タンパク質	37668_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.591	6.3705E-03
238	61875	Entrez Gene	イントフロン活性化エキソヌクレアーゼ遺伝子20kDa様2	40946_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.593	3.2988E-03
239	A032612	GenBank	エフラー γ 1 (α) // 核内低分子ボヌクレオタノハク質ホリヘプチドF	41403_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.593	2.1685E-03
241	8673	Entrez Gene	小胞結合膜タンパク質8(エンドブリッジ)	41403_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.674	9.8788E-04
245	6249	Entrez Gene	レブタン(Reed-Steinberg細胞発現中間径フランメント結合タンパク質)	32715_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.593	2.2624E-03
				34350_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.595	8.1420E-03

低下診断表8

遺伝子番号	公開識別子	テガリス	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
248	2547	Entrez Gene	チャニース・ハムスター細胞における修復欠陥を補完するX線修復6(Ku自己抗原、70kDa)	32766_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.597	8.7735E-04
249	545	Entrez Gene	毛細血管拡張運動失調症およびRad3関連活性化T細胞核因子、細胞質性、カルシニコル依存性3	37229_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.619	5.1546E-03
250	4775	Entrez Gene	活性化T細胞核因子、細胞質性、カルシニコル依存性3	40823_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.633	7.3198E-03
252	4790	Entrez Gene	B細胞のκ軽鎖ホリベアチ'遺伝子-ハンサ-の核因子1(p105)(p105)	13789_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.598	6.5881E-03
255	23234	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ、サブファミリーC、メンバ-9	41569_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.599	4.9293E-03
258	4437	Entrez Gene	mutSホモログ3(大腸菌)	1719_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.603	6.7926E-03
263	6427	Entrez Gene	スマライシング因子、アルギニン/セリノリッチ2	36111_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.607	1.0792E-03
266	27292	Entrez Gene	シトキナルアデノシンラグフエラセリボリヌクタバク質L23	39883_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.609	2.6811E-03
271	9349	Entrez Gene	リボソムタバク質L23	32295_j_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.611	2.2508E-03
280	6663	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3、サブユニット8、110kDa	34841_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.615	9.0352E-03
286	8665	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3、サブユニット5(グリフ)、47kDa	32576_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.617	4.1860E-03
287	7203	Entrez Gene	シマヘニン含有TCP1、サブユニット3(γ)	40774_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.617	6.5552E-03
293	UD58861	GenBank	アルトケト還元酵素ファミリー-1、メンバ-C1 (β-ヘリオタル酸水素酵素1-20-α(3-α)-ヒドロキシテロド水素酵素)///アルト-ガト 還元酵素ファミリー	32805_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.621	6.7226E-03
295	9579	Entrez Gene	BCL2関連アタシング5	36463_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.624	7.8918E-03
299	9536	Entrez Gene	ブロスタグジンE合成酵素	38131_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.626	9.0721E-03
303	4928	Entrez Gene	ヌクレオトドリ98kDa	38911_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.627	2.3405E-03
309	W2B948	GenBank	完全長ヒサトcDNA YH77E09	37151_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.631	4.5494E-03
321	6128	Entrez Gene	リボソムタバク質L6	31952_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.637	8.7667E-03
322	5245	Entrez Gene	7-ヒビチ	36592_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.637	3.4444E-03
323	9296	Entrez Gene	ATP7セグメント輸送型、リツム型14kDa、V1サブユニットF	37395_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.610	7.4746E-03
324	1340	Entrez Gene	ソトロムオキシダーゼサブユニットVIBボリベアチ	40872_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.638	1.3105E-03
325	1891	Entrez Gene	1ノイルCoA加水酵素1、ペルオキシソーム型	32756_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.638	8.7097E-03

低下診断表8

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
327	1933	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1 β 2	35748_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.639	7.6265E-04
328	6141	Entrez Gene	リボソームタンパク質L18	31546_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.691	6.7124E-03
330	6950	Entrez Gene	リボソームタンパク質L1	34791_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.640	3.7040E-03
331	29760	Entrez Gene	B1細胞リンカ-	38242_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.640	7.2677E-04
336	10247	Entrez Gene	熱応答性タンパク質12	32713_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.645	6.3987E-03
338	899	Entrez Gene	サイクリンF	35907_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.646	8.5538E-03
340	6139	Entrez Gene	リボソームタンパク質L17	32440_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.647	6.1617E-03
341	9521	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1 ϵ 1	40587_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.718	6.3530E-03
342	1054	Entrez Gene	CCAAT/エニアザ結合タンパク質(C/EBP)	39219_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.647	8.7653E-03
344	8664	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3、サブユニット7 ζ 、66/67kDa	35298_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.649	2.0180E-03
345	57418	Entrez Gene	WD反復ドメイン18	35983_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.651	3.7380E-03
346	6187	Entrez Gene	リボソームタンパク質S2	31527_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.651	6.9801E-03
347	11079	Entrez Gene	小胞体におけるRER1保留ホモログ(S. cerevisiae)	41551_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.651	B.1132E-03
349	6206	Entrez Gene	リボソームタンパク質S12	33117_r_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.652	2.4740E-03
353	4070	Entrez Gene	腫瘍関連カルシムシグナルタンパク質-2	291_3_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.655	8.7414E-03
354	7152	Entrez Gene	ホルミラーゼ(DNA)修復遺伝子2	31680_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.654	8.0454E-03
355	4615	Entrez Gene	骨髓系分化一次応答遺伝子(88)	38369_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.654	5.5186E-03
357	9377	Entrez Gene	シクロムオキシダーゼサブユニットVa	41223_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.656	7.0969E-03
358	7385	Entrez Gene	ゴキノルシトクロムc還元酵素、リスケ鉄硫黄ホリベフ ₁	34401_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.656	5.8159E-03
362	HG1980-HT202	The Institute for Genomic Research	-	956_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.658	8.0238E-03
364	54107	Entrez Gene	ホリミラーゼ(DNA指向性)、ε 3(p117サブユニット)	38702_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.660	3.6355E-03
368	5936	Entrez Gene	RNA結合モチーフタンパク質4	35351_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.662	1.3875E-03
369	7004	Entrez Gene	TEA-メソウリミンハ-4	41037_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.662	6.4188E-04
370	3054	Entrez Gene	ヒスチジン三塩基ヌクレオチド結合タンパク質1	1009_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.662	6.3134E-03
372	10557	Entrez Gene	リボヌクレアーゼP/MRP 38kDaサブユニット	41040_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.663	2.3436E-03
373	26156	Entrez Gene	リボソームL1トドゲン含有1	39418_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.664	2.4392E-03
374	6122	Entrez Gene	リボソームタンパク質L3	39418_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.730	4.3297E-03
				31722_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.665	8.4932E-03

低下診断表8

(113)

JP 2010-502177 A 2010.1.28

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
381	10694	Entrez Gene	リバヘロン含有TCP1、サブユニット8(θ)	39767_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.669	4.6792E-03
385	4694	Entrez Gene	NADHビトロナーゼ(ユビキノン)1αサブユニットス、17.5kDa	36169_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.706	1.3204E-03
388	10682	Entrez Gene	トモハミル結合ダバク質(スドロリソラセ)	32556_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.672	3.7237E-03
396	2146	Entrez Gene	zeste6モドリエンハンサー2(ショカシヨカハ)ワ	37805_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.677	5.6084E-03
398	2950	Entrez Gene	ケルタガン-Sトランスクラセア	33986_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.701	9.0063E-03
401	6156	Entrez Gene	リボソムタンバク質L30	33398_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.695	5.1049E-03
402	516	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトノン輸送性、ミトコントリアF0/F1複合体、サブユニットc(サブユニット9)、アシフォーム	31708_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.682	4.7648E-03
403	9128	Entrez Gene	PRP4 mRNA前駆体プロセシング因子4ホモジン(酵母)	38076_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.682	3.2512E-04
404	3028	Entrez Gene	トロキシャルCoA脱水素酵素、II型	37936_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.682	1.2100E-03
405	2981	Entrez Gene	基本転写因子III、ホリプロト2、β34kDa	40778_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.687	5.4834E-03
406	10969	Entrez Gene	EBNA1結合ダバク質2	37295_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.683	5.1041E-03
412	6768	Entrez Gene	腫瘍抑制14結腸癌、マリブタセ、エビチ	36135_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.683	7.3375E-03
420	6390	Entrez Gene	コハク酸脱水素酵素、サブユニットB、鉄硫質(Ip)	35309_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.685	2.8284E-03
421	162	Entrez Gene	7アブタ-閻連ダバク質複合体1、β1サブユニット	40745_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.689	9.9046E-03
423	6749	Entrez Gene	構造特異的認識ダバク質1	37739_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.690	1.6623E-03
425	6832	Entrez Gene	var1抑制因子、3様 (S. cerevisiae)	41408_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.691	4.8988E-03
426	10939	Entrez Gene	AFG3ATP7セファミリ-遺伝子3様2(酵母)	34315_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.692	1.3656E-04
432	6183	Entrez Gene	リボソムダバク質S5	32437_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.693	1.4556E-03
437	328	Entrez Gene	APEXスクレアセ(多機能性DNA修復酵素)	2025_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.746	9.3963E-03
441	4717	Entrez Gene	NADHビトロナーゼ(ユビキノン)、サブユニットス未知、1.6kDa	38485_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.696	2.0589E-03
442	23385	Entrez Gene	カストリ	34835_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.696	1.6857E-03

低下診断表8

遺伝子番号	公開識別子	アーリース	遺伝子名	アロ-1D	比較	倍率変化	P値
446	1847	Entrez Gene	二重特異性ホモタキシ	529_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.697	3.7478E-03
455	694	Entrez Gene	B細胞転座相手遺伝子1:抗増殖性	37294_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.704	5.5679E-03
459	593	Entrez Gene	分枝鎖介酸脱水素酵素E1、αボリヘアド(β-)	37704_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.720	1.7216E-03
462	51635	Entrez Gene	テヒロケナセ/リダクタセ(SDR7A5)α/β-7	39814_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.708	6.9810E-03
465	613	Entrez Gene	切断点クラスター領域	34679_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.709	4.4827E-03
466	7150	Entrez Gene	ホリミラセ(DNA)	1030_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.711	1.5853E-03
467	1329	Entrez Gene	クロムオキシダーゼサブユニットVb	39821_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.711	8.1965E-03
469	6888	Entrez Gene	トランスアルトラセ1	37311_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.713	2.9353E-04
471	6050	Entrez Gene	リボヌクレアーゼ/アンキオケニンヒビタ-1	36187_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.715	1.3879E-03
484	26578	Entrez Gene	破骨細胞刺激因子1	467_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.725	7.2710E-03
485	1347	Entrez Gene	クロムオキシダーゼサブユニットVilaホリヘアド(2'肝臟)	41760_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.726	1.4279E-03
486	3615	Entrez Gene	IMP(イノシルリン酸)脱水素酵素2	36524_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.726	5.8955E-03
491	3916	Entrez Gene	リゾーム膜タンパク質1	39758_f_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.732	1.6743E-03
492	23020	Entrez Gene	活性化シナリオ(イケレタ1複合体サブユニット3様1	41224_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.732	7.2017E-03
495	6812	Entrez Gene	シタシン結合タンパク質1	33942_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.734	2.7323E-03
496	23511	Entrez Gene	クロムオボリン188kDa	32644_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.735	1.7224E-03
498	283638	Entrez Gene	KIAA0284	38592_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.736	1.8693E-03
499	30968	Entrez Gene	ストマチンEPB2様2	34380_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.738	6.0626E-03
502	3420	Entrez Gene	1'ケン酸脱水素酵素3(NAD+)β	40111_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.737	9.0628E-03
512	1327	Entrez Gene	リボヌクレアーゼサブユニットV7イソフォーム1	39027_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.746	6.3689E-03
514	3030	Entrez Gene	リボヌクレアーゼサブユニットV7イソフォーム1 (三機能タンパク質)αサブユニット	36952_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.750	6.1291E-03

低下診断表8

遺伝子番号	公開識別子	テキスト	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
516	3032	Entrez Gene	ヒト肝アシルCoA脱水素酵素/3-ケトアルキルCoAオキラーゼ/エノイルCoA加水酵素(三機能タンパク質)βサブユニット	38741_at	Day 3 Perl / Day 3 Extra	0.752	2.0159E-03
517	5223	Entrez Gene	ホスホクリセリン酸ムターゼ1(脳)	41221_at	Day 3 Perl / Day 3 Extra	0.752	1.6814E-03
523	10036	Entrez Gene	クロマチン構築因子1、サブユニットA(p150)	32589_at	Day 7 Perl / Day 7 Extra	0.756	2.8970E-03
534	5437	Entrez Gene	キリラーゼ(RNA)(DNA)指向性ボリヘプチドH	35631_at	Day 3 Perl / Day 3 Extra	0.764	7.2269E-03
536	55744	Entrez Gene	仮想タバク質FLJ10803 チロシン3-モノオキシゲナーゼ/トリプトファン5-モノオキシゲナーゼ 活性化タバク質、βホリヘプチド	37610_at	Day 3 Perl / Day 3 Extra	0.764	2.5200E-03
544	7529	Entrez Gene	活性BCR関連遺伝子 チロシン3-モノオキシゲナーゼ/トリプトファン5-モノオキシゲナーゼ 活性化タバク質、βホリヘプチド	32324_at	Day 3 Perl / Day 3 Extra	0.769	5.4500E-03
546	29	Entrez Gene	活性BCR関連遺伝子	39058_at	Day 3 Perl / Day 3 Extra	0.796	8.8684E-03
553	8480	Entrez Gene	RAE1 RNA検出1ホモログ (S. pombe)	32757_at	Day 3 Perl / Day 3 Extra	0.778	1.2850E-03
571	3151	Entrez Gene	高移動度群ヌクレオソーム結合ドメイン2	41231_at	Day 3 Perl / Day 3 Extra	0.796	7.6303E-04
585	7534	Entrez Gene	チロシン3-モノオキシゲナーゼ/トリプトファン5-モノオキシゲナーゼ 活性化タバク質、βホリヘプチド	1235_at	Day 3 Perl / Day 3 Extra	0.824	9.9973E-03

【 0 3 1 3 】

低下診断-表9

遺伝子番号	公開識別子	アーティス	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
178	5268	Entrez Gene	セビンヘラチナ露苦根クリトB(ホタルナシ), ハバ-5	862_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.548	8.5245E-03
220	7295	Entrez Gene	チオトキシ	862_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.576	5.9941E-03
				36992_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.583	3.0827E-03

【 0 3 1 4 】

低下診断-表10

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	アローフID	比較	倍率変化	P値
110	1525	Entrez Gene	1型サルキウイルス-7型ウイルス受容体	37534_at	Day 3 Per / Day 3 Extra	0.493	7.3178E-03
229	8581	Entrez Gene	1型ハラ球抗原6様合体、D遺伝子座	36284_at	Day 7 Per / Day 7 Extra	0.589	9.2938E-03

【 0 3 1 5 】

低下診断-表11

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロ-ジID	比較	倍率変化	P値
250	4775	Entrez Gene	活性化T細胞核因子、細胞質性カクニコリン様存在3	40823_5_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.633	7.3198E-03
252	4780	Entrez Gene	B細胞のK絆鎖ホリヘドト遺伝子エンハンサ-の核因子1 (p105)(p105)	1376_9_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.598	6.5881E-03
355	4615	Entrez Gene	骨髓系分化一次応答遺伝子(88)	38369_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.654	5.5186E-03

【 0 3 1 6 】

低下診断-表12

遺伝子番号	公開識別子	アタリース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
202	10553	Entrez Gene	HIV-1 Tat結合タンパク質2,30kDa	38824 at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.592	5.7075E-03

【 0 3 1 7 】

10

20

30

40

低下診断-表13

遺伝子番号	公開識別子	テキスト	遺伝子名	プロ-7ID	比較	倍率変化	P値
8	9415	Entrez Gene	脂肪酸不飽和化酵素2	32190_at	Day 3 Per/ Day 0 Per	0.365	8.5757E-03
11	553168	Entrez Gene	第1染色体オーブンディンクフルーム68	31328_at	Day 7 Per/ Day 0 Per	0.229	1.6500E-05
18	7123	Entrez Gene	C型クチドトイファミリー3、メンバ-8	31326_at	Day 3 Per/ Day 0 Per	0.487	3.0725E-03
20	AB011538	GenBank	CDNAクローニングIMAGE:5922621	36569_at	Day 3 Per/ Day 0 Per	0.356	1.8400E-05
24	2053	Entrez Gene	細胞質エキソト加水分解酵素2	36568_at	Day 7 Per/ Day 0 Per	0.428	5.8746E-04
31	6483	Entrez Gene	軟骨中間層タンパク質、ヌクレオチドリボヌクレオチド	35324_at	Day 3 Per/ Day 0 Per	0.447	1.3446E-04
34	10458	Entrez Gene	BAU1結合タンパク質2	35324_at	Day 7 Per/ Day 0 Per	0.623	4.2479E-03
36	2273	Entrez Gene	41/2LIM-メイン	41473_at	Day 3 Per/ Day 0 Per	0.521	6.6949E-03
44	2194	Entrez Gene	脂肪酸ジシタセ	34985_at	Day 3 Per/ Day 0 Per	0.354	4.8214E-04
51	5354	Entrez Gene	7プロトリピタンパク質1(ヘリコイク酸・マルチバヘル病、症性対麻痺2型、単純性)	34985_at	Day 7 Per/ Day 0 Per	0.381	2.9109E-03
56	1675	Entrez Gene	補体因子D(アシジン)	40282_s_at	Day 7 Per/ Day 0 Per	0.410	3.2238E-03
57	23242	Entrez Gene	1ルドン-ブルホモロジウス	35669_at	Day 7 Per/ Day 0 Per	0.543	1.1342E-03
71	HG3570-HT377	The Institute for Genomic Research	—	35669_at	Day 3 Per/ Day 0 Per	0.585	1.2820E-03
77	9524	Entrez Gene	糖タンパク質、シナフツ2	938_s_at	Day 7 Per/ Day 0 Per	0.679	6.6192E-03
93	1152	Entrez Gene	ケラチニナセ、脳	38963_at	Day 7 Per/ Day 0 Per	0.614	2.1060E-03
94	10450	Entrez Gene	ヘアチジルプロリ異性化酵素E(シクロフリノE)	40983_r_at	Day 7 Per/ Day 0 Per	0.507	3.2271E-04
101	8532	Entrez Gene	カルボキシペプチダーゼZ	34365_at	Day 7 Per/ Day 0 Per	0.638	2.8273E-03
102	6038	Entrez Gene	リボヌクレアセ、RN7セアフツ-4	37248_at	Day 3 Per/ Day 0 Per	0.483	2.2126E-04
				37248_at	Day 7 Per/ Day 0 Per	0.522	7.1260E-04
				32654_at	Day 3 Per/ Day 0 Per	0.636	5.8524E-04
				32654_at	Day 7 Per/ Day 0 Per	0.691	3.6786E-03

低下診断表13

遺伝子番号	公開識別子	テキス	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
107	4163	Entrez Gene	大腸癌遺異	35561_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.608	7.2171E-03
113	6490	Entrez Gene	シルバーカモグ(マウス)	38327_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.710	9.2062E-03
130	U18300	GenBank	損傷特異的DNA結合タンパク質2, 48kDa // LIMホメボックス3	1243_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.749	8.6022E-03
131	23051	Entrez Gene	シルカイカ-およびホボボックス3	40461_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.738	3.2244E-03
136	2013	Entrez Gene	上皮膜タンパク質2	39831_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.619	5.1967E-04
137	81563	Entrez Gene	第1染色体オブシリティンクフレム21	41679_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.517	1.2344E-03
138	1638	Entrez Gene	ドバコム互変異性酵素 (ドバコムデルタリソラセ、チロシン関連タンパク質2)	41182_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.607	8.6951E-03
148	4713	Entrez Gene	NADH7ヒドロゲナーゼ(ユビキニン)1βサブコンプレックス、7.18kDa	41182_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.596	1.9071E-04
149	1386	Entrez Gene	システィンリッチタンパク質1(鼠)	35773_1_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.748	5.4735E-03
151	55187	Entrez Gene	液胞タンパク質ソティンク13D(酵母)	35774_1_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.791	1.2691E-03
160	113146	Entrez Gene	第14染色体オブシリティンクフレム78	33232_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.526	3.2997E-04
179	1474	Entrez Gene	シスタンE/M	33232_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.596	1.5417E-03
185	4736	Entrez Gene	リボソムタンパク質L10a	32743_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.772	6.0079E-03
209	217	Entrez Gene	アルデヒド脱水素酵素2/ミリキミコントリリア型	32747_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.741	2.4111E-03
212	8623	Entrez Gene	アセチルセトニ-オメチルトランスフェラーゼ様	36553_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.710	1.0994E-04
213	169611	Entrez Gene	カルバクトダム-様2A	38312_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.719	4.2489E-04
223	2621	Entrez Gene	増殖停止特異的6	1597_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.689	5.8701E-03

低下診断-表13

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
230	AB006780	GenBank	レクチン、カラクトド結合性、可溶性、3(カレチン3)/// カレチン3-内在遺伝子	35367_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.683	4.0159E-04
231	6929	Entrez Gene	転写因子3(E2A免疫グロブリンエンハンサ結合因子 E12/E47)	35367_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.763	8.3297E-03
240	26040	Entrez Gene	SET結合タバガ質1	1373_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.738	3.1310E-04
257	A1557912	GenBank	シトコントリア外膜トランスポーターセナセトモログ(酵母)/// 仮想タバガ質LOC201725	39025_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.798	1.0424E-03
260	5453	Entrez Gene	POUトメイン、クラス3、転写因子1	33675_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.606	4.5158E-03
273	23050	Entrez Gene	シルクフィンガータンパク質423	34980_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.613	2.6182E-04
276	56967	Entrez Gene	第14染色体オーナーリティングフレーム132	41837_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.614	6.2326E-04
277	8860	Entrez Gene	変性精姦細胞ホモログ1、脂質デサチュラーゼ (ジオウショウハラ)	41837_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.660	1.7553E-03
280	8663	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3、サブユニット8、110kDa	34841_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.776	9.4126E-03
285	23850	Entrez Gene	3要素チフ含有29 カルシントニン1	1898_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.617	3.0138E-03
300	22883	Entrez Gene		41498_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.777	3.9252E-03
304	3290	Entrez Gene	βH-ミクストロト(11-β)脱水素酵素1	35702_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.628	6.5442E-03
306	2065	Entrez Gene	V-erb-b2赤芽球性白血病ウイルス癌遺伝子ホモログ3 (H)	32787_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.677	7.5081E-03
307	10217	Entrez Gene	CTD(カルボキシン末端ドメイン)、RNAポリラーゼII ホリプロトA)モルホアセナセ	40196_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.735	2.0122E-03
				40196_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.770	5.2302E-03

低下診断表13

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロファイル	比較	倍率変化	P値
311	4681	Entrez Gene	神経芽細胞腫、腫瘍抑制1	37005_at 37005_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.642 0.695	1.7449E-03 2.4042E-03
323	9296	Entrez Gene	ATPアセチルトロミン輸送型、リソーム型14kDa、V1サブユニットF	37395_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.840	4.0330E-03
326	6141	Entrez Gene	リボソームタンパク質L18	31546_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.760	9.8180E-03
333	2709	Entrez Gene	キャベツシャンクションタンパク質、 β 5(コキシジン31.1)	38903_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.643	1.7987E-03
339	HG162-HT3165	The Institute for Genomic Research	リボソームタンパク質L3	1278_at 31722_at 31857_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri Day 7 Peri/ Day 0 Peri Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.647 0.792 0.666	6.0118E-03 9.5624E-03 3.7416E-03
374	6122	Entrez Gene	リボソームタンパク質、P1	38810_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.778	7.87739E-03
375	6176	Entrez Gene	ヒストンデアセチラーゼ5	38810_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.784	9.3572E-04
378	10014	Entrez Gene	ST6(α -N-アセチル- β -D-ガラクトシル-1,3)-N-アセチルガラサミニド α -2,6-ジアリル-1-スルフアセチラーゼ2	34693_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.668	5.8340E-04
379	10610	Entrez Gene	腎芽細胞腫過剰発現遺伝子	39250_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.670	5.1134E-03
383	4856	Entrez Gene	ケルペル様因子4(消化管)	36214_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.670	7.5240E-03
384	9314	Entrez Gene	膀胱癌関連タンパク質	35266_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.815	4.1112E-03
386	10904	Entrez Gene	ヒドロキシアルCoA脱水素酵素、H型	40778_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.785	3.6406E-03
404	3028	Entrez Gene	V ⁺ myc骨髓芽球症ウイルス癌遺伝子ホモジン1、肺癌由来(リ)	1490_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.684	2.8494E-04
408	4610	Entrez Gene	精巢特異的キナーゼ2	33164_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.688	8.0384E-03
416	10420	Entrez Gene	微小管結合タンパク質4	33350_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.690	9.2919E-04
424	4134	Entrez Gene	シビドリヒミジナセ様4	33850_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.747	8.7450E-03
429	10570	Entrez Gene	リボソームタンパク質S5	39503_s_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.693	9.8616E-03
432	6193	Entrez Gene	リモボックスタンパク質7	32437_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.740	3.6964E-03
433	23492	Entrez Gene	リモボックスタンパク質7	36864_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.808	6.6422E-03
				36864_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.742	3.4050E-03

低下診断表13

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
434	4809	Entrez Gene	NHP2非LSTン染色体タバク質2様1(S. cerevisiae)	411746_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.830	6.1703E-03
436	79090	Entrez Gene	輸送タバク質粒子複合体6A	36529_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.694	6.8032E-03
438	84525	Entrez Gene	ホスホジン単独タバク質	39698_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.695	8.7289E-03
449	57017	Entrez Gene	第16染色体オーナーディングフレーム49	34810_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.610	4.2261E-03
457	4174	Entrez Gene	MCM5-3染色体維持欠陥5、細胞分裂周期46(S. cerevisiae)	982_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.706	4.9235E-04
458	10278	Entrez Gene	胎児性Fn結合基質	33683_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.706	2.0000E-05
460	4357	Entrez Gene	マルカトリルビン酸硫黄転移酵素	36124_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.718	6.1275E-04
461	3727	Entrez Gene	Jun D癌原遺伝子	41483_s_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.707	7.1338E-04
464	22B82	Entrez Gene	シングルガーボおよびホメオボックス2	41503_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.709	9.7700E-05
472	2064	Entrez Gene	v erb-b2赤芽球性白血病ウイルス癌遺伝子ホモログ 2、神経芽細胞腫/膠芽腫由来癌遺伝子ホモログ ([1])	33218_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.718	4.9044E-04
474	79026	Entrez Gene	AHNAK核タバク質(デスマヨキン)	37027_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.740	6.2989E-04
476	949	Entrez Gene	クラスBカベント受容体、シバード	37027_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.780	8.8700E-05
477	1917	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1α2	41200_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.720	3.1374E-04
478	6205	Entrez Gene	リボソームタバク質S11	41200_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.721	1.3768E-03
481	79095	Entrez Gene	第9染色体オーナーディングフレーム16	35174_L_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.721	1.6250E-03
				32330_st	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.721	6.7372E-04
				41047_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.725	3.3215E-03
							5.9374E-03

低下診断表13

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロジェクトID	比較	倍率変化	P値
483	22924	Entrez Gene	微小管結合タンパク質4, RP/EB7/ミリ、マツバ3 ³	40825_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.725	1.1882E-03
486	3615	Entrez Gene	IMP(4/シーリ酸)脱水素酵素2	40825_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.765	2.4006E-03
487	1981	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子4 Y, 1	36624_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.740	8.1540E-04
494	10075	Entrez Gene	HECT、UBA6およびWWERメイン含有1	32844_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.727	9.4700E-03
497	HG22288-H1232	The Institute for Genomic Research	—	34372_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.802	1.9107E-03
501	10634	Entrez Gene	増殖停止特異的2様1	329_5_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.736	9.9413E-03
503	10424	Entrez Gene	プロガステロン受容体膜成分2	31874_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.737	7.5700E-05
504	8531	Entrez Gene	低温ショックメインタンパク質A	38821_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.791	1.9327E-03
505	5439	Entrez Gene	ホリメラセ(RNA)(DNA指向性)ホリペプチドJ、13.3kDa	38838_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.738	8.5534E-03
507	6227	Entrez Gene	リホリゾムタンパク質S21	1486_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.772	1.7983E-03
508	6169	Entrez Gene	リホリゾムタンパク質L38	32744_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.740	7.2902E-03
510	62118	Entrez Gene	リホリゾムタンパク質S17	34085_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.743	6.3557E-03
518	10638	Entrez Gene	周期応答(サイクロ)関連	34952_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.745	2.8146E-03
522	162427	Entrez Gene	仮想タンパク質LOC162427	1685_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.754	1.2093E-03
524	6202	Entrez Gene	リホリゾムタンパク質S8	38423_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.845	2.2722E-03
526	26003	Entrez Gene	ゴルジ再構築タンパク質2、55kDa	31583_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.848	1.7317E-03
530	4601	Entrez Gene	MAX1ンタクト1	35805_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.756	8.6210E-03
531	6293	Entrez Gene	液胞タンパク質S2(酵母)	654_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.839	6.8595E-03
				39072_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.858	6.80388E-03
				32658_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.858	6.80388E-03

低下診断表13

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
533	10067	Entrez Gene	分泌担体膜タンパク質3	32799_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.763	8.9346E-03
535	6203	Entrez Gene	リボソームタンパク質S9	31511_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.764	7.8708E-03
536	5036	Entrez Gene	増殖関連2G4, 38kDa	41600_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.765	6.9426E-03
538	9249	Entrez Gene	アビトロケナセ/レダクターゼ(SDR7アミリト)α/β-3	40782_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.765	6.4510E-03
540	1337	Entrez Gene	シクロムオキダーゼサブユニットVα/β/γ/β'ト1	41206_f_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.766	1.7769E-03
543	203059	Entrez Gene	R3H-メインおよびヒコルトコイル含有1	35158_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.769	8.4083E-03
545	23294	Entrez Gene	アンキリ反復およびスティルαモチートメイン含有1	40971_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.796	3.4853E-03
547	1937	Entrez Gene	真核翻訳延伸因子Y	1676_s_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.771	8.5875E-03
549	147179	Entrez Gene	WREタンパク質	40781_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.772	8.6910E-04
553	3163	Entrez Gene	ヘムオキシゲナーゼ(デサイクリン)2	37916_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.781	9.4119E-03
559	22864	Entrez Gene	KIAA1002タンパク質	41366_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.781	8.7647E-03
562	9903	Entrez Gene	ケルヒ様21(ショウジョウハエ)	37230_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.786	5.6275E-03
563	5236	Entrez Gene	ホスホグルコムターゼ1	37230_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.812	4.4808E-03
565	2975	Entrez Gene	基本転写因子IIIc、ポリヘテロト1、α220kDa	35671_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.791	3.1660E-03
566	10956	Entrez Gene	骨肉腫増幅	36596_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.791	9.0765E-03
569	527	Entrez Gene	ATP7セ、ブロウ輸送型リソーム型16kDa、VO ⁺⁺ /J ⁺	36596_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.818	6.2854E-03
570	8720	Entrez Gene	膜結合型転写因子ヘテロ二、部位1	36594_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.794	8.6116E-03
572	286440	Entrez Gene	仮想タンパク質LOC286440	41655_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.796	8.4134E-03
573	6136	Entrez Gene	リボソームタンパク質L12	33568_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.797	2.3409E-03
575	445	Entrez Gene	アルリホソームタンパク質L35	40541_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.799	7.5623E-03
576	11224	Entrez Gene	チニコル酸合成酵素	41765_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.800	6.9298E-03

低下診断-表13

遺伝子番号	公開識別子	テキソス	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
578	4779	Entrez Gene	核因子(赤芽球由来2)様1	38439_at	Day 7_Perf/ Day 0_Perf	0.811	5.5209E-03
579	149603	Entrez Gene	リツクフィガーサンパク質187	39722_at	Day 3_Perf/ Day 0_Perf	0.812	7.5346E-03
580	8818	Entrez Gene	トリキルリン酸アノニル転移酵素ホリベーフチド2、調節サブユニット	39726_at	Day 7_Perf/ Day 3_Perf	0.814	3.7920E-03
581	823	Entrez Gene	カルバゾン1、(mu)1大サブユニット	33908_at	Day 7_Perf/ Day 3_Perf	0.815	9.2186E-03
583	6720	Entrez Gene	ストロール制御領域結合転写因子1	32135_at	Day 3_Perf/ Day 0_Perf	0.819	6.4366E-03
584	23633	Entrez Gene	カリオフレリンα6(インボルチンα7)	40275_at	Day 3_Perf/ Day 0_Perf	0.824	1.6981E-03
585	23481	Entrez Gene	pescadilloホモログ1、BRCTドメイン含有 (カルボリシン)	41869_at	Day 7_Perf/ Day 0_Perf	0.831	9.3885E-03

【 0 3 2 5 】

低下診断-表14

遺伝子番号	公開識別子	データース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
300	22883	Entrez Gene	カルシンテニン	41498_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.77	3.9252E-03
458	10278	Entrez Gene	胎児性Fyn結合基質	33863_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.706	2.0000E-05
476	949	Entrez Gene	クラスBスカベンジャー受容体、メンバー	33863_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.718	6.1273E-04
				41200_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.720	1.3768E-03
				41200_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.721	1.6250E-03

【 0 3 2 6 】

低下診断-表15

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	アロ-7ID	比較	倍率変化	P値
24	2053	Entrez Gene	細胞質TAK1加水分解酵素2	41473_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.521	6.6949E-03
378	10014	Entrez Gene	ヒストンデアセチラゼ5	38810_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.778	7.8739E-03
578	4779	Entrez Gene	核因子(赤芽球由来2様1	38810_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.784	9.3572E-04
				38439_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.811	5.5209E-03

【 0 3 2 7 】

低下診断表16

遺伝子番号	公開識別子	アーティス	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
102	6038	Entrez Gene	リボヌクレオチドRN77A7アミリ-4	32664_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.686	5.8524E-04
				32664_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.691	3.6796E-03

【 0 3 2 8 】

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
13	125	Entrez Gene	アルコールビドメターゼ1B(ケライン)、β-ポリペプチド	35730_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.252	5.3255E-03
21	3131	Entrez Gene	肝白血病因子	38627_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.556	5.7849E-03
53	10443	Entrez Gene	仮想遺伝子CG0112	15320_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.660	5.2680E-03
65	51601	Entrez Gene	リバクターゼ酵素	37441_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.432	3.4529E-03
90	6924	Entrez Gene	転写伸長因子B(SIII)、ホリヘリト3'110kDa、リロキ	32049_f_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.469	3.1906E-03
121	1158	Entrez Gene	クレチノキナーゼ、筋肉	32486_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.501	6.1425E-03
146	4968	Entrez Gene	8-オキソグアニンDNAグリコラーゼ	38335_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.759	6.2179E-03
157	28610	Entrez Gene	伸長タク質4ホモロジ(S. cerevisiae)	38347_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.533	6.3391E-03
186	644	Entrez Gene	ビヘルジンタクターゼA	32618_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.702	5.1159E-03
193	23107	Entrez Gene	ミントリアリボソームタンパク質S27	39377_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.634	9.8004E-03
197	6477	Entrez Gene	セフン-イン-アフェセチアホモロク1(ショジョウカバ1)	32161_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.565	2.6623E-03
215	9936	Entrez Gene	CD302抗原	34760_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.580	5.4949E-04
218	128	Entrez Gene	アルコルヒトロキナーゼ5(クヌスIII)、Xホリペプチド	37708_f_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.600	6.4350E-03
220	7295	Entrez Gene	チオレドキシル	36992_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.673	4.8045E-03
224	631	Entrez Gene	カルハースタチ	41257_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.700	3.4819E-03
250	4775	Entrez Gene	活性化T細胞核因子、細胞質性、カルシニコリン依存性3	40822_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.745	7.0070E-03
254	26115	Entrez Gene	SERPINE1 mRNA結合タンパク質1	40440_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.727	9.5681E-03
262	353	Entrez Gene	7-二体スリボルトルヌスプロテーゼ	34310_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.619	3.4882E-03
267	54665	Entrez Gene	円形精子細胞嗜基性タンパク質1	37828_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.626	4.8046E-03
282	23392	Entrez Gene	KIAA0368	34414_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.644	5.3735E-03
290	25797	Entrez Gene	グルタニルペプチドカタラーゼ(グルミニルカタラーゼ)	35986_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.663	6.8919E-03
291	5092	Entrez Gene	6ヒドロキシヒドロチロリ合成酵素、肝細胞核因子1α-2型	34352_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.704	1.5982E-03
298	10289	Entrez Gene	翻訳開始因子s11ホモロジ	33351_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.624	5.2711E-04
316	8824	Entrez Gene	カルボキシステアーゼ2(腸、肝臓)	40882_at	Day 7 Peri / Day 7 Intra	0.635	9.8801E-03
341	9621	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1-1	40587_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.697	4.8656E-04
351	132556	Entrez Gene	転写因子BTF3ホモロジ類似3	31519_f_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.653	9.2891E-03
366	8192	Entrez Gene	CipR/セイ1分解ヘテロ二聚体(大腸菌)	32528_at	Day 7 Peri / Day 7 Intra	0.661	7.3475E-03
370	3094	Entrez Gene	ヒスチジン三連残基ヌクレオチド結合タンパク質1	1009_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.704	8.1604E-03
385	4694	Entrez Gene	NADHヒドロキナーゼ(ヒキノ)1αサコブシングク7, 1, 7.5Da	3669_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.754	3.5482E-03
403	9128	Entrez Gene	PRP4 mRNA前駆体プロセシング因子4ホモロジ(酵母)	37936_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.809	4.3656E-03
410	23075	Entrez Gene	SWAP-70タンパク質	31869_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.684	5.9006E-03
413	6138	Entrez Gene	リボンヌクレオチドリボン	32333_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.686	4.8021E-03

低下診断表17

遺伝子番号	公開識別子	テキスト	遺伝子名	プロファイル	比較	倍率変化	P値
417	9759	Entrez Gene	ヒストンアセチラーゼ4 ヌクレオーム集合タンパク質1様4	38271_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.776	6.2327E-03
418	4676	Entrez Gene	ヌクレオーム集合タンパク質1様4	32575_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.820	9.3028E-03
419	5425	Entrez Gene	ポリラーゼ(DNA指向性)、δ-2、制御サブユニット50kDa	1470_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.689	5.7659E-03
439	2549	Entrez Gene	GRB2関連結合タンパク質1	33997_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.731	4.0375E-03
442	23385	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトドリアF1複合体、 Oサブユニットオリゴマシン感受性付タンパク質1	34835_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.790	4.8084E-03
452	539	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトドリアF1複合体、 Oサブユニットオリゴマシン感受性付タンパク質1	37029_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.701	5.7342E-03
462	51635	Entrez Gene	ヒストロナーゼ/レタクターゼ(SDRカミトメノバ-7 ヘロ状)ヌクレオームタンパク質(AU1)チ領域RNA結合タンパク質1、 37kDa)	39814_5_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.740	6.8403E-03
470	3184	Entrez Gene	—	38016_bt	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.714	4.2703E-03
480	HG1614_HT161	The Institute for Genomic Research	—	984_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Intra	0.747	1.0730E-03
488	22934	Entrez Gene	リボンス5'リン酸異性化酵素A(リボンス5'リン酸ヒビラセ)	38036_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.729	4.9732E-03
490	11311	Entrez Gene	液胞タンパク質p53誘導タンパク質3	35779_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.731	7.1397E-03
511	9540	Entrez Gene	UTP14、U3核内低分子リヌクレオタンパク質、ヌクレオC(酵母)	36079_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.746	5.1135E-03
527	9724	Entrez Gene	UTP14、U3核内低分子リヌクレオタンパク質、ヌクレオC(酵母)	39405_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.760	3.9078E-03
534	5437	Entrez Gene	ポリラーゼ(RNAII)DNA指向性ポリA'ブチH	35621_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.772	5.4217E-03
541	23623	Entrez Gene	RuntおよびUSH3トメイン含有1	34264_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.768	9.1280E-03
553	8480	Entrez Gene	RAE1 RNA抽出1ホモログ(S. pombe)	32756_g_at	Day 7 Peri / Day 7 Intra	0.786	2.2519E-03
571	3151	Entrez Gene	高移動度群ヌクレオーム結合トメイン2	41231_f_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.827	4.3201E-03
585	7534	Entrez Gene	チロシンモノオキシゲナーゼ/トリプトファンモノオキシケナーゼ活性化 タンパク質、(ホリヘンヌク)	1235_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.853	7.0175E-03

低下診断-表18

遺伝子番号	公開識別子	アーティス	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
220	7295	Entrez Gene	チオルキシ	36992_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.673	4.8045E-03

【 0 3 3 1 】

10

20

30

40

低下診断-表19

Seq_ID	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
250	4775	Entrez Gene	活性化T細胞核因子、細胞質性、カルニコル依存性3	40822_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.746	7.0070E-03
417	9759	Entrez Gene	ヒストンデアセチラゼ4	38271_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.776	6.2327E-03
490	11311	Entrez Gene	液胞タンパク質ソーティング45A(酵母)	35779_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.731	7.1397E-03

【 0 3 3 2 】

低下診断-表20

遺伝子番号	公開識別子	テナース	遺伝子名	アロ-ア'ID	比較	倍率変化	P値
1	4250	Entrez Gene	セカルトロビン、アミリ-2A、ンバ-2	36329_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.009	7.1701E-04
				36329_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.017	3.3179E-04
				36329_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.021	2.8985E-03
2	5304	Entrez Gene	プロラクチン誘導タンパク質	36329_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.023	2.712E-03
				41094_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.032	5.1676E-04
				41094_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.076	3.5561E-03
				41094_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.094	1.9781E-04
3	10647	Entrez Gene	セカルトロビン、アミリ-1D、ンバ-2	32880_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.033	4.4000E-05
				32880_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.085	7.5456E-03
				32880_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.075	8.2511E-04
				32880_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.102	5.4085E-03
4	HG1763- HT178	The Institute for Genomic Research	—	325_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.038	6.4653E-03
				325_s_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.060	1.7598E-03
				325_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.073	2.6304E-04
5	2167	Entrez Gene	脂肪細胞型脂肪酸結合タンパク質4	38430_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.091	6.8631E-04
				38430_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.053	1.3371E-03
				38430_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.075	4.2884E-03
6	3283	Entrez Gene	ヒドロキシ-Δ-ステロイド脱水素酵素、 3β-およびヒドロキシルタクソラセ-1	35721_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.062	4.4497E-03
				35721_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.069	6.8147E-03
7	6288	Entrez Gene	血清アミロイドA1	33272_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.117	4.3324E-03
				33272_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.081	6.6381E-04
8	9415	Entrez Gene	脂肪酸不飽和化酵素2	32190_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.201	7.6424E-03
9	247	Entrez Gene	アラキドン酸15-リボキシゲナーゼ-2	37430_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.095	4.5492E-03
10	1690	Entrez Gene	凝固因子Cホモジン、コリニ(Limulus polyphemus)	34190_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.129	1.6089E-03
11	HG371- HT2638	The Institute for Genomic Research	—	700_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.143	4.4849E-03
12	125	Entrez Gene	アルコホルキナーゼ1B(グラブ)、β-ホリハーブド	35730_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.162	9.2302E-03
13	103190	GenBank	ホモ・サヒンス(ヒト)のPlacentaCot25S-1化 の完全長cDNAクローニングCS0D1027YJ05	37635_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.206	2.8404E-03
14	7123	Entrez Gene	C型ケンドマイクミ-3、ンバ-B	36569_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.243	7.7786E-03
15	10351	Entrez Gene	ATP結合カセット、サフミリ-ABC1、 ンバ-B	35717_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.279	3.1166E-03
				35717_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.305	5.8783E-04

低下診断-表20

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
20	AB011538	GenBank	CDNAクロンIMAGE_5922621	35524_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.280	3.800E-03
21	3131	Entrez Gene	肝白血病因子	38827_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.289	1.1838E-03
23	4211	Entrez Gene	Meis1, 骨髓性エトロウウイルス組み込み部位1(ホモログラフ)	39827_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.325	6.7101E-03
24	2053	Entrez Gene	細胞質Iボキシット加水分解酵素2(CTAGE2アリーメルハ-5)	40763_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.324	4.5206E-03
25	4253	Entrez Gene	セリビンプロテアーゼ阻害剤、クレト-B(オホアルブミン)、メルハ-8	41473_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.327	3.5922E-03
26	5271	Entrez Gene		41615_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.330	3.8948E-03
27	3119	Entrez Gene	主要組織適合性複合体、クラスII、DQ β 1	36878_f_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.350	9.9668E-03
30	3885	Entrez Gene	ケチソン、毛髪、酸性、4	34012_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.352	4.5590E-03
32	11075	Entrez Gene	ヌクミン様2	38800_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.356	5.6882E-03
33	3075	Entrez Gene	補体因子H	39250_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.356	2.4846E-03
34	10458	Entrez Gene	BAI1結合タンパク質2	37760_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.798	8.1747E-03
35	9086	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子1A、Y連鎖	40097_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.358	8.6154E-03
36	2273	Entrez Gene	41/21IMトマイン	32542_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.367	5.7500E-03
40	4223	Entrez Gene	間葉ホモボクス2(成長停止特異的ホモボクス)	40398_3_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.376	7.2046E-03
41	3400	Entrez Gene	DNA結合阻害因子4、ドミナントカーティフヘリクス・ループ・ヘリクス・ループ質	41536_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.381	8.0900E-05
43	8710	Entrez Gene	セリビンプロテアーゼ阻害剤、クレト-B(オホアルブミン)、メルハ-7	35577_at	Day 7 Intra / Day 3 Control	0.410	2.1354E-03
44	2194	Entrez Gene	脂肪酸シンターゼ	41536_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.488	2.0580E-03
47	406	Entrez Gene	アリル炭化水素受容体核内輸送体様	36896_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.489	6.7433E-03
48	9452	Entrez Gene	内在性膜タンパク質2A	36896_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.391	9.1974E-03
49	63928	Entrez Gene	肝細胞癌抗原遺伝子520	40775_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.392	3.3491E-03
51	5354	Entrez Gene	プロテリビドタンパク質1(ヘリコース・ルツハル病、症性対麻痺2型、単純性)	40775_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.400	2.0273E-03
				41158_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.503	1.7500E-03

低下診断表20

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
54	224	Entrez Gene	アルデヒド脱水素酵素3アミリ-、ジハ-A2	40409_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.410	5.0007E-03
55	90634	Entrez Gene	仮想遺伝子CG018	40409_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.466	8.5061E-04
57	23242	Entrez Gene	コルチゾールホモロ(マウス)	34239_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.472	5.9625E-03
61	M1119	GenBank	—	35669_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.414	5.3339E-03
62	9687	Entrez Gene	GREB1タンパク質	35669_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.417	3.3977E-03
63	51097	Entrez Gene	サツカロビン脱水素酵素(推定)	38850_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.522	4.0596E-04
67	9145	Entrez Gene	シナフトリソ1	38875_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.428	8.8745E-03
68	1117	Entrez Gene	キチナーゼ3様2	38875_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.428	1.0961E-04
69	13	Entrez Gene	アルファセトミト脱アセチル酵素(エストラゼ)	38875_at	Day 7 Intra / Day 3 Extra	0.428	1.0961E-04
73	57798	Entrez Gene	GATA5・シワシカトメイン含有1	38875_at	Day 7 Intra / Day 3 Perf	0.441	6.2766E-04
75	26	Entrez Gene	アミドトランクルタバク質(アミオキジセ(鋼含有))	37186_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.443	5.1668E-03
76	AL080092	GenBank	MRNA: cDNA DKFZp64G1162 (クロマツKFP64G1162由来)	35581_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.444	9.2254E-03
79	56288	Entrez Gene	par-3バーナーニング欠陥ホモログ(C. elegans)	40973_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.533	5.0405E-03
80	26154	Entrez Gene	ATP結合カセットトランクルト(ABC1)、マハ-12	31754_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.557	5.7474E-03
82	1410	Entrez Gene	クリストリノ、αB	32243_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.468	5.9480E-03
84	10733	Entrez Gene	ホロ様キナーゼ4(ヨウジヨウカバ)I	975_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.455	5.4588E-03
85	8848	Entrez Gene	TSC22D・メイクミリ-、ジハ-1	39032_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.455	1.8273E-03
87	5264	Entrez Gene	フィノリルコアトキナラセ(レフサム病)	32724_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.465	4.1244E-03
88	10529	Entrez Gene	ネブリレト	34873_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.466	5.5138E-03
89	60481	Entrez Gene	ELOVL7アミノ酸-5、長鎖脂肪酸伸長(FEN1/Elo2, SUR4/Elo3様、酵母)	33821_at	Day 0 Intra / Day 0 Perf	0.468	8.7794E-03
91	10248	Entrez Gene	前庭体プロセシング7、リボヌクレアセ(マウス)(S. cerevisiae)	32213_at	Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.470	9.0098E-03
92	1545	Entrez Gene	シクロルP450.77ミリ-、サフ'フミリ-B、ホバ'フミ-1	40071_at	Day 7 Intra / Day 7 Perf	0.471	9.8460E-03
93	1152	Entrez Gene	クレチナーゼ、脂	40853_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.472	4.0142E-03

【 0 3 3 5 】

低下診断表20

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
94	10450	Entrez Gene	ペプチドリガード性化酵素E(シクロリジE)	34385_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.518	4.1270E-03
96	10090	Entrez Gene	ウロコル2-ヌルトランスクロセ	41859_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.474	1.8927E-03
98	352961	Entrez Gene	MHCクラスI mRNAアグメント3.8-1	41859_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.621	1.4198E-04
99	10314	Entrez Gene	LANCラシビオティクシテーザ成分C様(細菌)	34934_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.479	6.5297E-03
100	10628	Entrez Gene	チオドキシン結合タンパク質	39441_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.488	6.0119E-04
102	6038	Entrez Gene	リボヌクレアーゼ RN7セア7アリ-4	31508_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.482	9.0159E-03
104	6414	Entrez Gene	セレブロインP、血漿 1	32664_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.483	2.7472E-03
105	9987	Entrez Gene	ヘテロ核RNAタンパク質D様	34363_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.569	4.9291E-04
107	4163	Entrez Gene	大腸癌変異	32393_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Perl	0.488	6.0330E-03
111	2947	Entrez Gene	グルタチオンS-トランスクロセ M3(脳)	35561_at	Day 0 Intra / Day 0 Perl	0.489	6.2880E-05
114	88864	Entrez Gene	ビリオトボロク2(ヨウジヨウハ)	1120_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.494	7.1503E-03
117	104	Entrez Gene	アノンシテアミナセ、RNA特異的、B1 (RED1サブunit)	38748_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.497	4.3990E-03
119	6662	Entrez Gene	SRY(性決定領域)ホモジヌ91回曲肢異 形成症(常染色体逆性)	33436_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.489	8.5077E-04
122	9831	Entrez Gene	シンクワクタンパク質623	38954_L_at	Day 0 Intra / Day 0 Perl	0.541	1.9004E-03
123	1573	Entrez Gene	シクロムF450、アミリ-2、サフアミリ-2、ホリベ チト2	501_g_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.521	8.5777E-03
124	22982	Entrez Gene	KIAA0934	33408_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.505	3.3609E-03
125	51710	Entrez Gene	シンクワクタンパク質44(KOX7)	35409_L_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.505	4.2791E-03
126	2533	Entrez Gene	FYN結合タンパク質(FYB-120/130)	41819_at	Day 3 Intra / Day 3 Perl	0.507	3.1621E-03
127	9857	Entrez Gene	中心体結合タンパク質350	33805_at	Day 3 Intra / Day 3 Perl	0.507	5.1572E-03
128	9891	Entrez Gene	NUAKドミリ、SNF1様キナセ-1	33787_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.508	3.0115E-03
131	23051	Entrez Gene	シンクワク-およびホオボックス3	40481_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.513	4.3400E-05
133	3422	Entrez Gene	イハシテニル2リ酸△イバドラセ	40461_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.609	1.4528E-03
134	7728	Entrez Gene	シンクワクタンパク質175	36985_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.515	5.4407E-03
135	36	Entrez Gene	アルCoAデヒドロナセ、短鎖-分枝鎖	37500_at	Day 7 Intra / Day 7 Perl	0.515	4.1855E-03
139	10965	Entrez Gene	アルCoAチオエステラセ2	40673_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.515	1.3679E-03
140	10284	Entrez Gene	Sim3結合ホリヘド18kDa	36625_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.518	7.3351E-04
				41277_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.520	2.4318E-03

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロ-7ID	比較	倍率変化	P値
143	7073	Entrez Gene	TIA1細胞嫌害性顆粒結合RNA結合タンパク質様1	41761_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.521	4.5836E-03
145	8853	Entrez Gene	増殖・分化促進因子2	39410_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.521	2.9990E-03
146	4968	Entrez Gene	8-オキソアミニDNAクリコロナセ	38335_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.522	7.5866E-04
147	2110	Entrez Gene	電子伝達フタルタンパク質デヒドロケナセ	38335_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.626	6.6349E-03
151	55167	Entrez Gene	液胞タンパク質ソティング13D(酵母)	33494_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.623	1.1689E-03
153	9140	Entrez Gene	ATG21ナッシュ関連12キモビリ(S. cerevisiae)	32743_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.527	2.5585E-03
155	23506	Entrez Gene	KIAA0240	32720_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.530	2.7861E-04
158	6595	Entrez Gene	SWI/SNF関連ストリックス結合アチノイド-性加水分子調節因子、サフアミローナハ-2	38892_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.531	5.3954E-03
159	5110	Entrez Gene	タバコ質レイニアキノ酸(D-アスパラギン酸)O-チル基転移酵素	37737_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.533	6.2437E-03
161	201229	Entrez Gene	仮想タンパク質LOC201229	39557_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.534	2.8151E-03
162	22909	Entrez Gene	KIAA10189タンパク質	36458_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.535	2.3943E-03
163	51099	Entrez Gene	アブト-セトソイン含有5	33309_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.536	6.1234E-03
164	114682	Entrez Gene	オキシドロール結合タンパク質様8	41438_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.536	9.8735E-03
165	10653	Entrez Gene	セルペアチダセ阻害剤、ニツツイ7.2	34348_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.699	5.3002E-03
168	399563	Entrez Gene	仮想タンパク質FLJ43806	37151_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.542	7.7014E-03
171	1662	Entrez Gene	DEAD(Asp-Glu-Ala-Asp)ホヌスホリバチド10	831_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.544	5.2260E-03
172	5130	Entrez Gene	リ酸シジルトルヌフレラゼ1、コリン、α	39285_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.545	2.3355E-03
174	26235	Entrez Gene	Fホックスおよびリシンリチピトタンパク質4	39987_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.546	3.2858E-03
176	202	Entrez Gene	absentmimeloma1	32112_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.617	9.6489E-03
177	9774	Entrez Gene	BCL2結合転写因子1	38050_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.547	4.7061E-03
181	4232	Entrez Gene	中胚葉特異的転写産物モロク(マウス)	37749_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.553	9.8929E-04
182	2145	Entrez Gene	zesteのエンハンサーホモログ1(ショウジョウハエ)	32259_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.554	8.0450E-03
184	U73737	GenBank	—	1017_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.556	4.6650E-03
189	10300	Entrez Gene	カタニンp80(WD反復含有)サブユニットB1	40976_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.559	9.1699E-03

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロファイル	比較	倍率変化	P値
190	55651	Entrez Gene	核小体サブunitアーバン2(H/ACA核小体 低分子RNA)	41322_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.675	9.6475E-03
198	57209	Entrez Gene	シンカインガータンサブ質248	35139_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.565	2.1978E-03
200	8349	Entrez Gene	ヒストン2, H2be	33352_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.570	6.1256E-03
201	171546	Entrez Gene	第14染色体オーブンティングフレーム147	33352_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.617	5.0561E-03
203	115847	Entrez Gene	チトロナゼ/レタクセ(SDR)アミラバ-1	33399_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.856	8.8383E-03
211	8315	Entrez Gene	BRCA1結合サブunit質	39103_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.592	1.8258E-03
212	8623	Entrez Gene	アセチルセトニオ-オキタルトランスクレベセ様	41512_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.577	1.1128E-03
213	169811	Entrez Gene	オルブトミン様2A U1/U12 snRNP 35K	36553_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.677	7.0812E-04
214	11066	Entrez Gene	LPS応答性小胞輸送、ヒチおよびアンカ含有	38312_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.578	7.1773E-04
217	987	Entrez Gene	アルコルビトロケナセ5(クラスIII)、Xボリハブド	41029_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.579	3.6248E-03
218	126	Entrez Gene	アルコルビトロケナセ5(クラスIII)、Xボリハブド	35371_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.652	2.1271E-03
219	65055	Entrez Gene	第2染色体オーブンティングフレーム23	37708_s_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.582	8.9780E-03
221	5917	Entrez Gene	アルキニルtRNA合成酵素	36096_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.583	2.9762E-03
223	2621	Entrez Gene	増殖停止特異的6	549_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.584	6.5983E-03
224	831	Entrez Gene	カルバスター	1597_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.585	6.6298E-03
225	5927	Entrez Gene	十文字、ATIIc相互作用ドメイン1A(RBBP2様)	41257_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.585	5.3049E-04
226	2824	Entrez Gene	糖タンサブ質M6B	1785_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.585	3.1355E-03
227	1153	Entrez Gene	低温誘導性RNA結合タンサブ質	37251_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.586	8.6602E-03
230	AB006780	GenBank	レクチン、ガラクトト結合性、可溶性、3'カ レキ(3)://カレクシ-3内在遺伝子	39864_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.587	2.1268E-03
231	6929	Entrez Gene	転写因子3(E2A免被クロリンエンハンサ 合因子E12/E47)	39864_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.611	6.9554E-03
236	HG3254	The Institute for Genomic Research	—	35367_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.590	8.4864E-03
242	HT343	Entrez Gene	unc-84ホモログA(C. elegans)	1163_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.591	5.8755E-03
244	23353	Entrez Gene	Sp3転写因子	36558_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.594	2.9354E-03
247	6670	Entrez Gene	FOS様抗原2	41573_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.594	6.5653E-03
249	2355	Entrez Gene	毛細血管拡張運動失調症およびRas3関連	40268_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.596	5.8255E-03
	545	Entrez Gene	—	37229_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.597	5.6822E-03

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プローフID	比較	倍率変化	P値
251	8776	Entrez Gene	ミオチューバリン関連タンパク質1	34654_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.598	1.6699E-03
				34654_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.631	5.7609E-03
253	AL080234	GenBank	ホモサヒエヌ(ヒト)の胎児肝臓の完全長cDNAクロンCS0DM001YA04	38070_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.598	4.0626E-03
255	23234	Entrez Gene	Dnaj(Hsp40)ホモログ、サブファミリーC、メンバ-9	41569_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.615	8.2268E-03
256	94239	Entrez Gene	ヒストンH2Aファミリー、メンバ-Y	39046_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.600	7.9321E-03
				39046_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.650	5.0612E-03
257	A1557912	GenBank	ミコントリア外膜タンパク質サ7ホモログ(酵母)://仮想タンパク質LOC201725	39025_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.601	3.8343E-03
				39025_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.727	5.2071E-03
261	6651	Entrez Gene	SONDNA結合タンパク質	39096_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.607	3.4000E-03
				39096_at	Day 7 Intra / Day 7 Perl	0.641	4.2992E-03
263	6427	Entrez Gene	スプライシング因子、アルギニン/セリウツチ2	38111_s_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.710	4.2168E-03
				38111_s_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.865	1.5173E-04
264	22749	Entrez Gene	第6染色体オブソリティングフレーム145	34246_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.709	6.0916E-03
267	54665	Entrez Gene	円形精子細胞培養基性タンパク質1	37828_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.608	3.6629E-03
270	3301	Entrez Gene	Dnaj(Hsp40)ホモログ、サブファミリーA、メンバ-1	39118_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.610	7.8572E-04
				39118_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.611	5.7425E-03
272	22826	Entrez Gene	Dnaj(Hsp40)ホモログ、サブファミリーC、メンバ-8	36166_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.812	5.7794E-03
273	23090	Entrez Gene	シノクフィンガータンパク質423	34950_at	Day 7 Intra / Day 7 Perl	0.623	7.6235E-03
274	64112	Entrez Gene	アホトスモジユレタ-1	34767_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.614	4.4658E-03
275	10497	Entrez Gene	unc-31ホモログ(BC. elegans)	40087_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.789	3.3632E-03
282	22392	Entrez Gene	KIAA0368	34414_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.616	1.2683E-03
283	5934	Entrez Gene	網膜芽細胞腫様2(p130)	32597_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.616	8.7510E-03
284	4781	Entrez Gene	核因子1/B	41229_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.616	3.0477E-03
288	3418	Entrez Gene	イクエン酸脱水素酵素2(NADP+), ミコントリア型	32332_at	Day 0 Intra / Day 0 Perl	0.617	1.2680E-03
289	9	Entrez Gene	N-725ムラサキエフセ1(77)-7-シ-N-	38187_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.619	5.7524E-03
				35986_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.619	4.9522E-03
290	25797	Entrez Gene	グルミコアブリクトンスタンスエフセ(ケルミニルジケラセ)	40469_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.624	4.8160E-03
297	8868	Entrez Gene	MCM3ニ-染色体維持欠陥3(S. cerevisiae)関連タンパク質				

低下診断表20

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
298	10289	Entrez Gene	翻訳開始因子5ulf	33351_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.673	1.7266E-03
302	24139	Entrez Gene	棘皮動物微小管結合タンパク質様2	41328_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.627	4.4037E-03
305	23351	Entrez Gene	KIAA0323	32592_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.679	8.2136E-03
310	22903	Entrez Gene	BTB(POZ)ドメイン含有3	37755_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.631	9.7703E-03
311	4681	Entrez Gene	神経芽細胞腫、腫瘍抑制1	37005_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.631	3.2813E-03
312	10301	Entrez Gene	リバーウェイ性白血病欠失1	33791_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.631	8.9965E-03
313	AF052138	GenBank	FLJ35348//プロモトメイン含有3	33791_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.726	6.7457E-03
315	8930	Entrez Gene	メチル化CpG結合タンパク質4	41841_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.632	4.2490E-03
319	1428	Entrez Gene	クリストン、μ	34385_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.634	3.7388E-03
320	10614	Entrez Gene	ヘキサカルニビンアセチド誘導1	38285_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.636	1.2448E-03
324	1340	Entrez Gene	トクロムキシダセサブユニットVbホリヘッド1 (ユピタ)	40872_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.698	6.3894E-03
329	4026	Entrez Gene	好ましい転座バナナを含有する脂肪腫LMN-1	41195_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.639	3.3595E-03
334	6230	Entrez Gene	リボソムタンパク質S25	31573_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.643	9.4033E-03
337	27067	Entrez Gene	スクレーン、RNA結合タンパク質、ホモログ2(Cyorkash)	38341_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.645	8.20336E-03
341	9521	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1ε1	40587_s_at	Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.647	1.9928E-03
342	1054	Entrez Gene	CCAAT/エンハンサ結合タンパク質(C/EBP)	39219_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.676	1.0916E-03
352	8732	Entrez Gene	RNAアリルトランスフェラーゼおよび5'ヌクlease	35202_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.654	1.26688E-03
355	51567	Entrez Gene	TRAFおよbTNF受容体結合タンパク質	34825_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.655	3.0500E-05
360	3298	Entrez Gene	熱ショック転写因子2	202_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.658	7.1609E-03
361	4677	Entrez Gene	アスパラギニルtRNA合成酵素	41241_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.658	3.0519E-03
363	23384	Entrez Gene	KIAA0376タンパク質	34837_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.659	2.3071E-03
365	6635	Entrez Gene	核内体分子リボヌクレオタンパク質ボリヘッドE	38679_q_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.651	3.7759E-04
369	7004	Entrez Gene	TEA'マイクリオドン-4	38679_q_at	Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.697	1.8800E-05
371	4632	Entrez Gene	非転移性細胞3、発現タンパク質	41037_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.710	7.7243E-03
				41037_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.755	4.0427E-03
				197_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.663	6.9663E-03

低下診断-表20

遺伝子番号	公開識別子	アーティス	遺伝子名	プロ-ID	比較	倍率変化	P値
372	10857	Entrez Gene	リボヌクレアーゼP/MRP38kDaサブユニット	41040_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	-0.667	4.5174E-03
	26155	Entrez Gene	リボソームリトマイン含有1	39418_at	Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.681	5.6288E-03
373	26053	Entrez Gene	自閉症感受性候補2	35648_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.667	3.9622E-03
376	56399	Entrez Gene	メチルransフェラーゼ様3	32244_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.667	8.8345E-04
377	10038	Entrez Gene	ホリ(ADP)ホースポリラセファミリー、メバ-2	32244_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.726	7.6780E-03
382	10904	Entrez Gene	34756_g_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.669	7.1429E-03	
386	7411	Entrez Gene	膀胱癌関連タンパク質	35267_g_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.672	2.1451E-03
387	1349	Entrez Gene	ファン・ヒバーリットウ結合タンパク質1	171_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.672	7.7370E-03
390	54462	Entrez Gene	トクロムc1キシタセフュニットVIIb	36682_at	Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.673	1.8885E-03
391	80003	Entrez Gene	KIAA1128	37617_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.674	5.5416E-03
392	25972	Entrez Gene	pecanex様2(ショウジョウハバヒ)	39650_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.698	9.3133E-03
393	64795	Entrez Gene	unc-50ドットウ(C. elegans)	39442_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.674	6.1109E-03
394	7743	Entrez Gene	仮想タンパク質FLJ13910	36580_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.575	9.6835E-03
397	50813	Entrez Gene	シングルタンパク質189	36072_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.676	3.2610E-03
399	3156	Entrez Gene	COP9構成的光形態形成セロソバニア7A	34404_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.681	3.7246E-03
400	2861	Entrez Gene	3-ヒドキシ-3-メチルグルタリル-CoA還元酵素	39328_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.681	4.7805E-03
405	4170	Entrez Gene	基本転写因子III、ホリペプチド2、β34kDa	37295_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.796	1.4862E-03
409	23112	Entrez Gene	骨髓性細胞白血病配列1(BCL2関連)	277_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.584	6.1525E-03
414	9759	Entrez Gene	トリヌクレオチド反復含有6B	37487_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.688	9.6905E-03
417	4676	Entrez Gene	ヒストンデアセチル化4	38271_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.689	3.9849E-03
418	1749	Entrez Gene	ヌクレオチド結合タンパク質14	32575_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.790	4.9890E-03
422			デイクルルホスホスルクス5	41087_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.689	3.6526E-03

【 0 3 4 1 】

低下診断-表20

遺伝子番号	公開識別子	アーティス	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
427	22794	Entrez Gene	癌感受性候補3	38437_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.692	2.7057E-03
428	322	Entrez Gene	β 730代(A4)前駆体タンパク質結合、アミリB、シルバー-(Fe65)	38437_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.742	4.1247E-03
430	6837	Entrez Gene	核内因子リボヌクレオチドリバブチG	1101_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.692	1.6594E-03
435	889	Entrez Gene	KRT1_アンキリン反復含有	37337_at	Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.693	3.9690E-03
438	2549	Entrez Gene	GRB2関連結合タンパク質1	34031_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.684	4.9207E-03
443	23125	Entrez Gene	カルモテリン結合転写活性因子2	33987_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.695	2.4081E-04
444	2926	Entrez Gene	G17tRNA配列結合因子1	33987_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.710	2.0825E-03
447	22849	Entrez Gene	細胞質ポリアデニル化因子結合タンパク質3	41421_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.696	8.6760E-03
448	10106	Entrez Gene	CTDカルボキシ末端ドメイン、RNAポリラーゼII_ドリバブチスモルスフタセ2	32985_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.696	6.0979E-03
450	10329	Entrez Gene	膜貫通タンパク質5	34931_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.697	6.8691E-03
451	26959	Entrez Gene	HMGボックス転写因子1	41202_s_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.698	3.5449E-03
452	539	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、ミトコンドリアF1複合体、O2ユニット(ドリバブチスモルスフタセ2)	37445_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.700	2.4850E-03
				39809_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.701	9.4669E-03
				37029_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.784	7.2352E-03
453	10542	Entrez Gene	B型肝炎ウイルス結合タンパク質	38054_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.782	3.3831E-03
454	8624	Entrez Gene	タウ症候群重要領域遺伝子2	36088_at	Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.704	8.0554E-03
456	5431	Entrez Gene	トリロセ(1RNA)II(DNA指向性ドリバブチ)	39746_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.705	2.3347E-03
464	22882	Entrez Gene	シングルインボリブドミオブロブス2	41503_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.750	6.4066E-03
467	1329	Entrez Gene	シクロドリバブチセアセニトVb	39921_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.718	5.7364E-03
468	51020	Entrez Gene	HDI ミン含有2	34359_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.712	2.4876E-03
				34359_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.777	2.8509E-03
473	3054	Entrez Gene	宿主細胞因子C1(VP16アセサリタンパク質)	37910_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.718	6.3341E-03
474	79026	Entrez Gene	AHNAK核タンパク質(テヌモキシ)	37027_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.718	8.1471E-03
479	10611	Entrez Gene	PDZおよびLIM-メイブ5	37386_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.722	2.3752E-03
482	9813	Entrez Gene	KIAA0494	41830_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.725	3.4757E-03
483	26100	Entrez Gene	WIF49様タンパク質2	33982_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.731	6.9435E-03
494	10075	Entrez Gene	HECT、UBAおよびWWWEドメイン含有1	34374_q_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.733	2.9887E-03

低下診断-表20

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
500	23259	Entrez Gene	DDHDI-メイン含有2	35177_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.736	8.5771E-03
509	51304	Entrez Gene	ジンケフ/カ-、DHHC型含有3	38751_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.744	7.7468E-03
513	10541	Entrez Gene	酸性(ジンケフ)核リ酸化タンパク質3277ミリ、 シバ-B	38479_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.747	1.6161E-03
515	23379	Entrez Gene	KIAA0947タンパク質	41595_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.751	2.7370E-03
519	5215	Entrez Gene	クリソルランスフライヤー様 核トドマイド105kDa質	41346_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.754	4.1376E-03
521	10241	Entrez Gene	EGF様ドメイン、マルチブローラ MAX-1タクター	40063_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.755	7.6513E-03
526	1955	Entrez Gene	E74様因子2(ets1)メイン転写因子)	36488_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.759	7.4685E-03
530	4601	Entrez Gene	E74様因子2(ets1)メイン転写因子)	39072_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.762	4.0454E-03
532	1998	Entrez Gene	E74様因子2(ets1)メイン転写因子)	507_5_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.763	4.9854E-03
537	7693	Entrez Gene	ジンケフ/カ-タンパク質134(クロントpH-15)	36295_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.764	9.8387E-03
545	23294	Entrez Gene	アンキリ反復およびスライドセクタ-メイン含有1	40971_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.769	7.4093E-03
548	5636	Entrez Gene	ホスホジルピリコ酸合成酵素関連タンパク質2	41853_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.772	9.6928E-03
550	9703	Entrez Gene	KIAA0100遺伝子産物	39783_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.773	4.2046E-03
551	10294	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ、サフアミリ-A,サフア-2	34201_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.775	2.1191E-03
552	9741	Entrez Gene	リソソムタンパク質膜貫通4 α	39019_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.776	6.0768E-03
554	10556	Entrez Gene	リボヌクレアーゼP/MRP30kDaサブユニット	39019_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.815	9.6992E-03
555	9562	Entrez Gene	マルチブローラホリシン酸ヒヂンホスファ- セ、1	39702_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.778	8.7433E-03
556	9528	Entrez Gene	膜貫通タンパク質59	38325_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.779	8.9541E-03
557	5326	Entrez Gene	多形膜腫遺伝子様2	39033_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.779	6.9035E-03
561	670	Entrez Gene	ピフェニル加水分解酵素様(セリカ加水分解 酵素、乳腺上皮ムチン関連抗原)	40912_5_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.784	7.7779E-03
564	51780	Entrez Gene	十文字ドメイン含有1B	33870_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.789	6.0617E-03
568	56270	Entrez Gene	WDR55様	39185_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.792	6.7923E-03
574	79073	Entrez Gene	仮想タンパク質MGC550B	39693_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.797	7.6719E-03
587	369	Entrez Gene	vrat7ウツ肉腫3611ウツ筋遺伝子モロフ	1708_at	Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.832	4.3502E-04
588	23	Entrez Gene	ATP結合カセット、サフアミリ-F(GCN20)、シバ-1	39141_at	Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.837	5.3611E-03
589	25966	Entrez Gene	第21染色体オーフィンゲルーム25	32107_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.845	5.8404E-03

低下診断表20

遺伝子番号	公開識別子	アーリス	遺伝子名	7日-7ID	比較	倍率変化	P値
590	23644	Entrez Gene	自己抗原	36670 at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.866	7.3351E-03

【 0 3 4 4 】

10

20

30

40

低下診断表21

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	アロ-ID	比較	倍率変化	P値
1	4250	Entrez Gene	セクレトグロビン、ファミリー2A、メンバ-2	36329_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.009	7.1701E-04
				36329_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.017	3.3179E-04
2	5304	Entrez Gene	プロテオントン誘導タバコ質	36329_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.021	2.8985E-03
				41094_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.032	5.1676E-04
3	10647	Entrez Gene	セクレトグロビン、ファミリー1D、メンバ-2	41094_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.076	9.5561E-03
				32880_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.094	1.9791E-04
4	HG1763-HT176	The Institute for Genomic Research	—	32880_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.033	4.4000E-05
5	2167	Entrez Gene	脂肪細胞型脂肪酸結合タンパク質4	32880_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.065	7.5453E-03
				32880_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.075	8.2511E-04
27	3119	Entrez Gene	主要組織適合性複合体、クラスII、DQ β 1	325_5_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.060	1.7599E-03
				325_5_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.073	2.6304E-04
41	3400	Entrez Gene	DNA結合阻害因子4、ミクノトガテフヘリクス・ループヘリクスタンパク質	36430_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.091	6.8631E-04
				36430_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.075	4.2884E-03
43	8710	Entrez Gene	セルビンヘリコチセ"阻害剤、クトドB(オホアブロミン)、メンバ-7	36878_1_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.350	9.9683E-03
				41536_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.488	2.0560E-03
47	405	Entrez Gene	アリル炭化水素受容体核内輸送体様	365577_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.489	6.7433E-03
				36866_6_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.566	9.3574E-03
49	63928	Entrez Gene	肝細胞癌抗原遺伝子520	363007_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.391	9.1974E-03
54	224	Entrez Gene	アルデヒド脱水素酵素ファミリー、メンバ-A2	404049_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.466	7.7208E-03
55	90534	Entrez Gene	仮想遺伝子CG0118	34239_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.410	5.0000E-03
57	23242	Entrez Gene	コドンプロモーター(C) α 7	35669_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.472	5.9628E-03
79	56288	Entrez Gene	par-3ハイドロゲンングルコシダーゼ(C. elegans)	408973_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.417	3.3977E-03
88	10529	Entrez Gene	par-3ハイドロゲンングルコシダーゼ(C. elegans)	34873_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.533	5.0406E-03
93	1152	Entrez Gene	ネブレット	40883_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.466	5.5136E-03
94	10450	Entrez Gene	クリアチニンキナゼ、脳	34305_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.518	4.0142E-03
99	10314	Entrez Gene	ヘリコチルコトリ異性化酵素E(シクロフリンE)	38441_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.488	6.0119E-04
123	1573	Entrez Gene	LANCランチオテックシンテセ'成分C様(細菌)	501_9_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.529	4.2791E-03
135	36	Entrez Gene	シトクロムP450、ファミリー2、サブファミリー2	40873_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.515	1.3679E-03

遺伝子番号	公開識別子	テキスト	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
139	10965	Entrez Gene	アルCoAオキステラセ2	36825_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.518	7.3351E-04
200	8349	Entrez Gene	LX12, H2be	33352_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.570	6.1256E-03
203	115817	Entrez Gene	アビトロナセ/レダクタセ(SDRアミリジン)1	39103_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.592	1.8258E-03
217	987	Entrez Gene	IPS応答性小胞輸送、ヒトおよびアカ-含有	35371_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.652	2.1271E-03
236	HG0254-HT343	The Institute for Genomic Research	—	1163_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.591	5.8755E-03
251	8776	Entrez Gene	ミオコラリシ関連タンパク質1	34654_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.631	5.7609E-03
257	AI557912	GenBank	ミコントリア外膜タンパク質LOC201725	39025_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.727	5.2071E-03
272	22826	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ、サブファミリーB	38166_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.612	5.7794E-03
275	10497	Entrez Gene	unc-13ホモログB(C. elegans)	40087_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.769	3.3634E-03
305	23351	Entrez Gene	KIAA0523	32692_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.679	8.2136E-03
361	4677	Entrez Gene	アスペラギンtRNA合成酵素	41241_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.658	3.0519E-03
371	4832	Entrez Gene	非転移性細胞、差異タンパク質	197_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.663	6.9663E-03
391	54462	Entrez Gene	KIAA1128	37617_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.696	9.3133E-03
452	539	Entrez Gene	ATP合成酵素、アミン輸送性ミトドリアF1複合体、Oサフニニク(オリコマイシン感受性付タンパク質)	37029_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.784	7.2352E-03
467	1329	Entrez Gene	オクタムオキシダーゼサフニニトVb	39921_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.718	5.7364E-03
556	9328	Entrez Gene	膜質通タンパク質59	39033_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.779	6.9035E-03
561	670	Entrez Gene	ヒフェニル加水分解酵素様(セリ)加水分解酵素、乳原上皮ムチ関連抗原	40912_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.784	7.7779E-03
568	56270	Entrez Gene	WDR45様	39185_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.792	6.7923E-03

低下診断表22

遺伝子番号	公開識別子	テキスト	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
1	4250	Entrez Gene	セカルトグリビン、フミリ-2A、メンバ-2	36329_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.023	2.7212E-03
3	10547	Entrez Gene	セカルトグリビン、フミリ-2A、メンバ-2	32880_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.102	5.4085E-03
4	HG1763- HT178	The Institute for Genomic Research	—	325_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.038	6.4653E-03
5	2167	Entrez Gene	脂肪細胞型脂肪酸結合タンパク質4	38430_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.053	1.3371E-03
7	6288	Entrez Gene	血清ミロイドA1	33272_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.059	6.8147E-03
10	1690	Entrez Gene	凝固因子Cモログ、コリリムルス polyphemus	33272_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.117	4.3324E-03
26	5271	Entrez Gene	セリンプロテアセチル化阻害剤、クリトB(株アルブミン)、メンバ-8	34190_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.129	1.6089E-03
57	23242	Entrez Gene	カルボン-フルボモログ(アラブ)	36312_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.482	4.6083E-03
69	13	Entrez Gene	アリルアセトアミド脱アセチル酵素(エストラセ)	35669_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.522	4.0595E-04
75	26	Entrez Gene	アミロイド結合タンパク質(ミクオンダーゼ(銅含有))	36512_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.434	1.5905E-04
80	26154	Entrez Gene	ATP結合カセット、サブファミリーA(ABC1)、メンバ-12	37186_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.443	5.1668E-03
82	1410	Entrez Gene	クリストリ、αB	31754_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.557	5.7474E-03
84	1033	Entrez Gene	ホロ様キナーゼ4(ヨウショウウイ)	32243_g_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.468	5.9480E-03
133	3422	Entrez Gene	イソヘンチニルリソリジン△イソラセ	975_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.455	5.4588E-03
147	2110	Entrez Gene	電子伝達ラボタンパク質ヒロナナセ	36985_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.515	5.4407E-03
159	5110	Entrez Gene	タンパク質レソウスラバラン酸(Dスルバラバラン酸)O-メチル基 転移酵素	33494_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.523	1.1689E-03
166	10553	Entrez Gene	セリンプロテアセチル化阻害剤、クリツタワ、2	37737_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.534	2.8151E-03
171	1662	Entrez Gene	DEAD(Asp-Glu-Ala-Asp)ホスホリバブチド10	34348_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.699	5.3002E-03
176	202	Entrez Gene	absent in melanoma 1	831_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.544	5.2360E-03
177	9774	Entrez Gene	BCl2結合転写因子1	32112_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.617	9.6499E-03
181	4232	Entrez Gene	中胚葉特異的転写産物ホログ(マウス)	38050_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.547	4.7061E-03
189	10300	Entrez Gene	カタニンp80(WD反復含有サブユニットB1	37749_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.553	9.8892E-04
190	55551	Entrez Gene	核小体タンパク質カミリ-Α、メンバ-2(H/ACA核小体分子RNA)	40976_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.559	6.1689E-03
200	8349	Entrez Gene	ヒストン2、H2be	41322_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.675	9.6475E-03
201	171546	Entrez Gene	第14染色体オーブンリーディングフレーム147	33352_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.617	5.0561E-03
214	11086	Entrez Gene	U1/U12 snRNP 35K	33399_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.856	8.8389E-03
				41029_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.589	7.2521E-03

低下診断-表22

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロ-ID	比較	倍率変化	P値
221	5917	Entrez Gene	アルキニ-ミRNA合成酵素	549_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.584	6.5983E-03
249	545	Entrez Gene	毛細血管拡張運動失調症およびRad3関連ミオファブリン関連タバク質1	37229_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.597	5.6822E-03
251	8776	Entrez Gene		34654_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.598	1.6699E-03
255	23234	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ、サファミリ-C、メンバ-9	41569_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.615	8.2268E-03
263	6427	Entrez Gene	スライシング因子、アルギニン/セリンリッチ2	36111_s_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.665	1.5173E-04
270	3301	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ、サファミリ-A、メンバ-1	39118_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.611	5.7425E-03
289	9	Entrez Gene	N-セチルラントスノラセ1(アーリアミン-N-アセチルラントスノラセ)	38187_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.619	5.7524E-03
297	8888	Entrez Gene	MCM3-染色体維持欠陥3(S. cerevisiae)関連タンパク質	40469_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.624	4.8160E-03
315	8930	Entrez Gene	カルボン酸結合ドメインタンパク質4	34386_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.634	3.7988E-03
324	1340	Entrez Gene	シトクロムCオキダーゼサブユニットVIb(リバーサトド1)(ヒキタス)	40872_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.698	6.3894E-03
337	27067	Entrez Gene	スタウフェン、RNA結合タンパク質、ホモログ2(ショガジョウカバ)エ	38841_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.645	8.2036E-03
342	1054	Entrez Gene	CCAAT/エンハンサ結合タンパク質(C/EBP)	39219_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.676	1.0916E-03
352	8732	Entrez Gene	RNAアーニルラントスノラセおよびホスファタセ	35202_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.654	1.2688E-03
356	51567	Entrez Gene	TRAFおよびTNF受容体結合タンパク質	34825_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.655	3.0500E-05
365	6635	Entrez Gene	核内低分子リボヌクオタナバク質ホリプロテトE	38579_q_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.661	3.7739E-04
369	70104	Entrez Gene	TEAドメインタンパク質4	41037_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.710	7.7243E-03
372	10557	Entrez Gene	リボヌクレアーゼP/MRP38kDaサブユニット	41040_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.687	4.5174E-03
377	56339	Entrez Gene	カルボン酸結合タンパク質3	32244_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.726	7.6780E-03
382	10038	Entrez Gene	ホリ(ADP)ボースボリラセラミド、メンバ-2	34776_q_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.669	7.1429E-03
387	7411	Entrez Gene	フオニビンペルリントウ結合タンパク質1	171_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.672	7.7370E-03
393	25572	Entrez Gene	unc-50ホモログ(C. elegans)	39442_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.675	9.6835E-03
400	3156	Entrez Gene	3-ヒドロシ-3-メチルグルタルル-CoA還元酵素	39328_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.681	6.1523E-03
405	2961	Entrez Gene	基本転写因子子IE、ホリペプチド2、β34kDa	37295_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.796	1.4862E-03
409	4170	Entrez Gene	骨髓性細胞白血病配列(BCL2関連)	277_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.684	9.6805E-03

低下診断-表22

【 0 3 4 9 】

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	7日-7ID	比較	倍率変化	P値
418	4676	Entrez Gene	スルガソム集合タンパク質1様4	32575_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.790	4.9880E-03
444	2926	Entrez Gene	GlycRNA配列結合因子1	32595_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.696	6.0979E-03
450	10329	Entrez Gene	膜貫通タンパク質5	31445_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.700	2.4850E-03
453	10542	Entrez Gene	B型肝炎ウイルス結合タンパク質	35054_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.782	3.3831E-03
456	5431	Entrez Gene	ホリチセ(RNA)III DNA指向性ホリペプチドB、140kDa	39746_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.705	2.3347E-03
468	51020	Entrez Gene	HDTメイク含有2	34359_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.777	2.8509E-03
479	10811	Entrez Gene	PDZ結合LUMIメイク5	37366_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.722	2.3752E-03
489	26100	Entrez Gene	WIP149様タンパク質2	33392_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.731	6.9435E-03
509	51304	Entrez Gene	シクフィンガー-DHHC型含有3	39751_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.744	7.7468E-03
513	10541	Entrez Gene	酸性(ロジリチオ)トリ酰化タンパク質327アリ、シバ-B	38479_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.747	1.5161E-03
515	23379	Entrez Gene	KIAA0947タンパク質	41595_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.751	2.7370E-03
548	5636	Entrez Gene	ホスホボルヒロリン酸合成分群素関連タンパク質2	41853_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.772	9.6928E-03
554	10555	Entrez Gene	リボヌクレアーゼP/MRP30kDaサブユニア	39702_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.778	8.7433E-03
555	9562	Entrez Gene	マチブリルイソトロボリリン酸ヒドロキシホスファターゼ、1	38325_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.779	8.9541E-03
574	79073	Entrez Gene	仮想タンパク質MGC5508	36693_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.797	7.6719E-03
589	25955	Entrez Gene	第2染色体オブリティングルム25	32107_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.845	5.8404E-03

低下診断-表23

遺伝子番号	公開識別子	アーリズ	遺伝子名	アーリズID	比較	倍率変化	P値
166	10653	Entrez Gene	ヒトヘムオキシゲナーゼ阻害剤、ケニツタイプ、2	34348 at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.699	5.3002E-03

【 0 3 5 0 】

10

20

30

40

低下診断表24

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
6	3283	Entrez Gene	ビドキシ-Δ5-ステロイド脱水素酵素、3β-および 5テロイドリサイクル化酵素1	35721_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.062	4.4497E-03
9	247	Entrez Gene	アラキドン酸15リポキシゲナーゼ、2型	32190_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.081	5.6381E-04
12	HG371- HT2638	The Institute for Genomic Research	ホモサヒニスヒノPlacentaCot25均一化の完 全長cDNAクロノCSDD0277YJ05	37430_at	Day 0 Intra / Day 7 Peri	0.201	7.6424E-03
16	L09190	GenBank		700_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.096	4.5492E-03
19	10351	Entrez Gene	ATP結合力セト、サファミリA(ABC1)、メバ-8	37835_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.143	4.4849E-03
30	3685	Entrez Gene	ケラチン、毛髪、酸性、4	35717_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.305	5.8783E-04
44	2194	Entrez Gene	脂肪酸シンターゼ	34012_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.352	4.5550E-03
66	1117	Entrez Gene	キチナーゼ3様2	38429_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.386	9.3714E-03
73	57798	Entrez Gene	GATAシングルカドミン含有1	31891_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.432	5.3219E-04
89	60481	Entrez Gene	ELOV7アミノ酸-5、長鎖脂肪酸伸長(FEN1)/ El02、SUR4/Elo34様、酵母)	33821_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.441	6.2766E-04
92	1545	Entrez Gene	シトクロムP450,7A1-1、サフカミリB、ポリアブチド1	40071_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.471	9.8480E-03
105	9987	Entrez Gene	ヘテロ核RNAタク質D様	32393_5_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.489	1.9407E-03
107	4163	Entrez Gene	大腸癌変異	35561_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.489	6.2800E-05
119	6662	Entrez Gene	SRY(性決定領域)1ボックス9(屈曲肢異形成症、 常染色体遺性)	33436_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.521	8.5777E-03
125	51710	Entrez Gene	シンクンガタンパク質44(KOX7)	35409_1_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.507	5.1572E-03
126	2533	Entrez Gene	FYN結合タンパク質(FYB-120/130)	41819_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.507	3.0115E-03
127	9857	Entrez Gene	中心体結合タンパク質350	33805_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.508	4.3400E-05
134	7728	Entrez Gene	シンクンガタンパク質175	37500_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.515	4.1955E-03
153	9140	Entrez Gene	ATG12オトナフジ:関連12ホモジ(S. cerevisiae)	32720_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.530	2.7861E-04
163	51099	Entrez Gene	アブドローゼドミン含有5	33309_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.536	9.8735E-03
164	114882	Entrez Gene	オキシステロール結合タンパク質様8	41458_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.536	3.0621E-03
172	5130	Entrez Gene	リン酸シグナルタンパク質1、ゴルジ、α	39285_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.545	2.3355E-03
174	26235	Entrez Gene	TFボックスおよびシグナルチビタタンパク質4	39987_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.546	3.2958E-03

低下診断表24

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
184	U73737	GenBank	—	1017_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.556	4.6650E-03
211	8315	Entrez Gene	BRCA1結合タンパク質	41512_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.677	7.0812E-04
219	69055	Entrez Gene	第2染色体オブンティングフレーク23	36098_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.583	2.9762E-03
225	5927	Entrez Gene	+文字、ATリッチ相互作用ドメイン1A(RBBP2様)	1785_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.585	3.1353E-03
226	2824	Entrez Gene	精巣タンパク質M6B	37251_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.586	8.6602E-03
247	2355	Entrez Gene	FOS様抗原2	40268_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.596	5.8255E-03
261	6651	Entrez Gene	SONDNIA結合タンパク質	39098_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.641	4.2892E-03
273	23090	Entrez Gene	シンフィガタンパク質423	34950_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.623	7.6235E-03
288	3418	Entrez Gene	イソ-1-酸脱水素酵素2(NADP+)、ミコトリニア型	32332_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.617	1.2980E-03
302	24139	Entrez Gene	棘皮動物微小管結合タンパク質2	4132B_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.627	4.4037E-03
311	4681	Entrez Gene	神経芽細胞腫、腫瘍抑制1	37005_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.631	3.2813E-03
329	4026	Entrez Gene	好ましい転座バナナを含有する脂防腫LIMドメイン1	41195_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.639	3.3595E-03
369	7004	Entrez Gene	TEAD4インフィミノバ-4	41037_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.755	4.0427E-03
399	50613	Entrez Gene	COP9解成的光形態形成核小体サブユニット7A(Arabidopsis)	34404_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.661	4.7805E-03
414	23112	Entrez Gene	トリスレオド反復含有6B	37487_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.688	3.9849E-03
435	889	Entrez Gene	KRIT1アンギン反復含有	34031_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.694	4.9207E-03
454	22882	Entrez Gene	シンフィガおよびホメオドーカス2	41503_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.750	6.4066E-03
473	3054	Entrez Gene	宿主細胞因子C1(VP1677セサリタンパク質)	37910_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.718	6.3341E-03
494	10075	Entrez Gene	HECT、UBAおよびWWETドメイン含有1	34374_g_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.733	2.9867E-03
550	9703	Entrez Gene	KIAA0100遺伝子産物	39783_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.773	4.2046E-03
557	5326	Entrez Gene	多形膜腫遺伝子様2	40061_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.779	7.8774E-03

低下診断-表25

遺伝子番号	公開識別子	テキスト	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
329	4026	Entrez Gene 好ましい転座バナナを含有する脂肪酸LIMトドン	41195_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.639	3.3585E-03	

【 0 3 5 3 】

10

20

30

40

低下診断-表26

遺伝子番号	公開識別子	アーティス	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
13	125	Entrez Gene	アルコルビトロケナチ1B(マウス)、βボリペクチン	35730_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.162	9.2302E-03
18	7123	Entrez Gene	C型レチドミンアミリ-3、ダルバ-B	36569_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.243	7.7786E-03
19	10351	Entrez Gene	ATP結合カセット、サブファミリーA(ABC1)、ダルバ-B	35117_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.279	3.1166E-03
20	AB011538	GenBank	CDNAクロンIMAGE:5922621	35324_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.280	3.8006E-03
21	3131	Entrez Gene	肝白血病因子	38527_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.289	1.1838E-03
23	4211	Entrez Gene	Mes1、骨髓性エトロバクタイン組み込み部位 1(エンド)(マウス)	38527_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.325	6.7101E-03
24	2053	Entrez Gene	細胞質蛋白質キット'加水分解酵素2	40763_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.324	4.5206E-03
25	4253	Entrez Gene	CTAGE7アミリ-3、ダルバ-C スヌミン2	41473_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.327	3.5922E-03
32	11075	Entrez Gene	補体因子H	41615_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.330	3.8948E-03
33	3075	Entrez Gene	BAU1結合タンパク質2	38600_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.356	5.8882E-03
34	10458	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子1A、Y連鎖	322250_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.356	2.4648E-03
35	9086	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子1A、Y連鎖	37760_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.759	8.1747E-03
36	2273	Entrez Gene	41/2LIMドメイン	40097_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.358	8.8154E-03
40	4223	Entrez Gene	間葉ホモボックス2 (成長停止特異的ホモボックス)	32542_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.367	5.7500E-03
41	3400	Entrez Gene	DNA結合阻害因子4、ミナトネカティブヘリクス・ループ・ヘリクションバク質	41536_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.381	8.0900E-05
46	9452	Entrez Gene	内在性膜タンパク質2A	41536_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.410	2.1354E-03
51	5354	Entrez Gene	ブロオリビトランバク質1 (ヘリクエース、カルバッヘル病、 症性対麻痺2型、単純性)	40775_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.392	3.3491E-03
54	224	Entrez Gene	アルデヒト脱水素酵素3アミリ-3、ダルバ-A2	41158_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.403	1.1357E-04
57	2252	Entrez Gene	コレドン・フルボリバク(マウス)	40409_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.503	1.7500E-03
61	M11119	GenBank	—	35669_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.466	8.5061E-04
62	6687	Entrez Gene	GREB1タンパク質	38850_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.428	5.3389E-03
63	51097	Entrez Gene	サツカヒン脱水素酵素(推定)	38875_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.428	8.8745E-03
				34862_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.680	1.0961E-04
							6.5823E-03

低下診断-表26

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	アロ-7ID	比較	1倍率変化	P値
67	9145	Entrez Gene	シナフトン1	36354_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.432	1.9735E-03
76	AL080082	GenBank	MRNA: cDNA DKF7p564G1162(アロ-7DKF7p564G1162由来)	35354_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.469	5.7597E-03
85	8848	Entrez Gene	TSC22D(マイナミー、メハ-1)	35581_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.444	9.2254E-03
87	5264	Entrez Gene	7/タ/イルCoAヒドロキシラセ(17サム病)	36032_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.455	1.8273E-03
91	10248	Entrez Gene	前庭体プロセシング7、リボヌクレアセロサブユニコ(S. cerevisiae)	32213_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.465	4.1244E-03
96	10030	Entrez Gene	ウロニル2-ヌルホランヌフュラセ	41859_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.470	9.0063E-03
98	352961	Entrez Gene	MHCクラスI mRNAアラゲメント3-8-1	41859_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.474	1.8927E-03
100	10528	Entrez Gene	チオドキシル結合タンパク質	34934_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.521	1.4198E-04
102	6038	Entrez Gene	リボヌクレアセ、RNアセア7アミー-4	31508_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.479	6.5297E-03
104	6414	Entrez Gene	セレブロインP、血漿、1	32664_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.482	8.0159E-03
111	2947	Entrez Gene	ケルチオントランスクレセM3(脳)	32864_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.483	2.7472E-03
114	8864	Entrez Gene	ヒリオトホモクロ2(ショウジョウハバ)	34363_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.589	4.9291E-04
117	104	Entrez Gene	アデノシテアミナセ、RNA特異的、B1(RED1ラクトモロフ)	1120_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.494	6.0330E-03
122	9831	Entrez Gene	シングルンカタンパク質623	35008_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.497	7.1503E-03
124	22982	Entrez Gene	KIAA0934	35748_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.499	8.5077E-04
128	9891	Entrez Gene	NUAK7アミー-SNF1様キナセ、1	39984_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.541	1.9004E-03
131	23051	Entrez Gene	シンクライガ・およびホオホオクス3	33408_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.505	3.3609E-03
140	10284	Entrez Gene	Sin3結合ボリヘブド、18kDa	33787_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.506	3.1621E-03
143	7073	Entrez Gene	TIA1細胞傷害性颗粒結合RNA結合タンパク質1	40481_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.508	1.4528E-03
145	8853	Entrez Gene	増殖 分化促進因子2	41277_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.609	6.7006E-04
146	4968	Entrez Gene	TIA1細胞傷害性颗粒結合RNA結合タンパク質1	41761_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.520	6.3269E-03
151	55187	Entrez Gene	8オキソアニンDNAグリコラセ	39410_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.521	2.4318E-03
155	23506	Entrez Gene	38335_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.522	2.9990E-03	
			38335_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.628	7.5868E-04	
			32743_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.527	6.6349E-03	
			38892_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.531	2.5585E-03	
							5.3554E-03

低下診断-表26

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較		倍率変化	P値
					Day 3_Intra	Day 0_Intra		
158	6595	Entrez Gene	SW/SNF関連、ミトリクル結合、アフチン依存性 アフチン調節因子、サブアミリ-a、シルバ-2	40961_at			0.533	6.2437E-03
161	201229	Entrez Gene	仮想タバク質LOC201229	39557_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.535		2.3943E-03
162	22908	Entrez Gene	KIAA1018タバク質	38458_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.536		6.1234E-03
168	395563	Entrez Gene	仮想タバク質LOC201229	37151_at	Day 7_Intra/ Day 0_Intra	0.542		7.7014E-03
182	2145	Entrez Gene	zesteのエンササホモログ1(シヨウジョウカバ1)	32259_at	Day 7_Intra/ Day 0_Intra	0.554		8.0450E-03
196	57269	Entrez Gene	シングルイグンタバク質248	35139_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.565		2.1976E-03
211	8315	Entrez Gene	BRCA1結合タバク質	41512_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.577		1.1128E-03
212	8623	Entrez Gene	アセチルセトニン-O-メチルラヌスクアラセ-2様	36553_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.578		7.1773E-04
213	169611	Entrez Gene	オルファクトリシンド2A	38312_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.579		3.6248E-03
218	128	Entrez Gene	アルコールビドウナセ5(クラIII)、Xボリヘブト	37708_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.582		8.9780E-03
223	2621	Entrez Gene	増殖停止特異的6	1587_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.585		6.6289E-03
224	831	Entrez Gene	カルバストン-1	41257_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.585		5.3045E-04
227	1153	Entrez Gene	低温誘導性RNA結合タンパク質	39864_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.587		2.1268E-03
230	AB006780	GenBank	レクチンガラクトシト結合性、可溶性、 3(レクチン3)///カルクチン-3内在遺伝子	35387_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.590		6.8954E-03
231	6929	Entrez Gene	転写因子3(E2A免疫グローリンエンサ- 結合因子E12/E47)	1373_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.590		8.4864E-03
242	23853	Entrez Gene	unc-84ホモログ(A.C. elegans)	36588_at	Day 7_Intra/ Day 0_Intra	0.594		2.7482E-03
244	6670	Entrez Gene	Sp3転写因子	41573_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.594		2.9354E-03
253	AL080234	GenBank	ホモ-サヒエンス(ヒト)の胎児肝臓の完全長 cDNA/ホモcSDM001YA04	38070_at	Day 7_Intra/ Day 0_Intra	0.598		6.5653E-03
256	91239	Entrez Gene	ヒストンH2A7ミリ-タンパク質	39046_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.600		4.0826E-03
257	A1557912	GenBank	ヒストンH2A7ミリ-タンパク質LOC201725	38045_at	Day 7_Intra/ Day 0_Intra	0.600		7.9321E-03
261	6651	Entrez Gene	SONDNA結合タンパク質	39096_at	Day 7_Intra/ Day 0_Intra	0.601		5.0612E-03
				39095_at	Day 7_Intra/ Day 3_Intra	0.607		3.4000E-03
				39096_at	Day 7_Intra/ Day 3_Intra	0.710		4.2168E-03

低下診断-表26

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロファイルID	比較	倍率変化	P値
263	5427	Entrez Gene	スプライシング因子、アルギニン/セリノリソフ2	36111_3_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.709	6.0916E-03
264	221749	Entrez Gene	第6染色体オーブンディンクフレム145	34246_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.608	3.6829E-03
267	54665	Entrez Gene	円形結合細胞癌基性タンパク質1	37626_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.610	7.8572E-04
274	64112	Entrez Gene	アボトスケジュレーター	34677_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.614	4.4858E-03
262	23392	Entrez Gene	KIAA0368	34414_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.616	1.2889E-03
263	5934	Entrez Gene	網膜芽細胞腫様2(p130)	32597_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.616	8.7510E-03
284	4781	Entrez Gene	核因子1/B	41229_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.616	3.0477E-03
290	25797	Entrez Gene	クリミニルヘプチドクルスフェラーゼ(クリミニルカラセ)	35966_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.619	4.9522E-03
298	10289	Entrez Gene	翻訳開始因子sui1ホモログ	33351_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.673	1.7268E-03
310	22903	Entrez Gene	BTB(POZ)ドメイン含有3	37755_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.631	9.7703E-03
312	10301	Entrez Gene	リンパ性白血病欠失1	33791_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.631	8.9866E-03
313	AF052138	GenBank	FLJ35348///プロトマイシン含有3	41841_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.726	6.7457E-03
319	1428	Entrez Gene	クリスナリ、μ	38285_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.632	4.2490E-03
320	10614	Entrez Gene	ヘキサカルビンピアセトアミト誘導1	40220_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.636	3.7740E-03
334	6230	Entrez Gene	リボソムタンパク質S25	31573_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.643	9.4033E-03
341	9521	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1ε1	40587_s_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.647	1.8926E-03
360	3298	Entrez Gene	熱ショック転写因子2	202_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.658	7.1609E-03
363	23384	Entrez Gene	KIAA0376タンパク質	34837_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.659	2.3071E-03
365	6635	Entrez Gene	核内低分子リボヌクレオチドリボヌクレオチドE	38679_q_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.697	1.8800E-05
373	26156	Entrez Gene	リボソムL1ドイン含有1	39418_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.691	5.6286E-03
376	26053	Entrez Gene	自閉症感受性候補2	35648_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.667	3.9622E-03
377	56339	Entrez Gene	ナルトレスフェラーゼ様3	32244_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.667	8.9345E-04
385	10904	Entrez Gene	膀胱癌関連タンパク質	35267_q_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.672	2.1451E-03
390	1349	Entrez Gene	トクロムcキシターコニクトVIIb	36687_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.673	1.8866E-03
391	54462	Entrez Gene	KIAA1128	37617_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.674	5.5419E-03
392	80093	Entrez Gene	pecanex様2(ショウジョウバエ)	39850_s_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.674	6.1108E-03
394	64795	Entrez Gene	仮想タンパク質L113910	36580_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.675	3.2610E-03
397	7743	Entrez Gene	シクルインガタノク質189	36072_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.678	3.7246E-03
417	9759	Entrez Gene	ヒストンデセチラーゼ4	38271_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.689	4.9833E-03
422	1749	Entrez Gene	デスクレリスホノボクサ5	41087_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.689	3.6526E-03

低下診断-表26

遺伝子番号	公開識別子	データリス	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
427	22794	Entrez Gene	癌感受性候補3	38437_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.692	2.7057E-03
428	322	Entrez Gene	βアミロイド(A4)前駆体タンパク質結合/ファミリ-B、メンバ-1(e65)	38437_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.742	4.1247E-03
430	6637	Entrez Gene	核内低分子リボヌクレオタンパク質ボリペプチドG	37337_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.693	3.9690E-03
439	2549	Entrez Gene	GRB2関連結合タンパク質1	33987_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.695	2.4091E-04
443	23125	Entrez Gene	カルモデュリン結合転写活性化因子2	33987_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.710	2.0825E-03
447	22849	Entrez Gene	細胞質ボリアデニル化因子結合タンパク質3	41421_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.698	6.5760E-03
448	10106	Entrez Gene	CTDカルボキシ末端ドメイン、RNAボリメラーゼII、ボリヘリコツチA)スモルボスフタセ2	41202_s_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.697	6.8681E-03
451	26659	Entrez Gene	HMGボルクス転写因子1	39809_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.701	3.5449E-03
454	8624	Entrez Gene	ダウン症候群重要領域遺伝子2	36988_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.704	9.4669E-03
468	51020	Entrez Gene	HDトメイン含有2	34359_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.712	2.4870E-03
474	79026	Entrez Gene	AHNAK核タンパク質(テスモヨキン)	37027_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.718	6.1471E-03
482	9813	Entrez Gene	KIAA0494	41630_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.725	3.4757E-03
500	23259	Entrez Gene	DDHDトメイン含有2	35177_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.736	6.5771E-03
519	9216	Entrez Gene	クリコジルランスコレーゼ様	41346_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.754	4.1376E-03
521	10241	Entrez Gene	核トメイン10タンパク質	40083_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.755	7.6513E-03
526	1955	Entrez Gene	EGF様(メソ、マルチ)15	36488_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.759	7.4689E-03
530	4601	Entrez Gene	MAXイタラクト-1	39072_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.762	4.0454E-03
532	1988	Entrez Gene	E74接因子2(etsトノイ転写因子)	507_s_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.763	4.9954E-03
537	7693	Entrez Gene	ジンクフジガタンパク質13(クロノロH2-15)	38295_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.784	9.8397E-03
545	23294	Entrez Gene	アンキリ反復およびステラルαモチド-1イン含有1	40971_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.789	7.4093E-03
551	10284	Entrez Gene	DnaJ (Hsp40)ホモログ、サファミア、ドンバ-2	34201_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.775	2.1191E-03
552	9741	Entrez Gene	リソソムタンパク質膜貫通4α	39019_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.776	6.0768E-03
				39019_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.815	9.6992E-03

低下診断表26

遺伝子番号	公開識別子	テキスト	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
556	9528	Entrez Gene	膜貫通タンパク質59	39033_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.787	2.672E-04
564	51780	Entrez Gene	十文字ドメイン含有1B	33870_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.789	6.067E-03
587	369	Entrez Gene	v-Traf4ウイルス癌遺伝子ホモジ	1706_at	Day 7_Intra/ Day 3_Intra	0.832	4.3562E-04
588	23	Entrez Gene	ATP結合カセツ、サフアミリナ(GCN20)、ノバ-1	39141_at	Day 7_Intra/ Day 3_Intra	0.837	5.3611E-03
590	23644	Entrez Gene	自己抗原	36670_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.866	7.3351E-03

【 0 3 5 9 】

低下診断表27

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
24	2053	Entrez Gene	細胞質Iボキソト加水分解酵素2	41473_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.327	3.5922E-03
417	9759	Entrez Gene	ヒストジョテアセチラーゼ4	38271_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.689	4.9633E-03
568	23	Entrez Gene	ATP結合セクト、サブアミリ-ATP結合(GCN20)タンパク	39141_at	Day 7_Intra/ Day 3_Intra	0.637	5.3611E-03

【 0 3 6 0 】

低下診断表28

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
102	6038	Entrez Gene	リボヌクレアーゼ、RN7セアフミリ-4	32664_at	Day 3_Intra/ Day 0_Intra	0.483	2.7472E-03

【国際調査報告】

INTERNATIONAL SEARCH REPORT		International application No PCT/GB2007/003221
A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER INV. C12Q1/68		
According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC		
B. FIELDS SEARCHED		
Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols) C12Q		
Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched		
Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practical, search terms used) EPO-Internal, BIOSIS, EMBASE, WPI Data, CHEM ABS Data, EMBL		
C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		
Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
A	SATISH LATHA ET AL: "Gene expression patterns in isolated keloid fibroblasts." WOUND REPAIR AND REGENERATION : OFFICIAL PUBLICATION OF THE WOUND HEALING SOCIETY [AND] THE EUROPEAN TISSUE REPAIR SOCIETY 2006 JUL-AUG, vol. 14, no. 4, July 2006 (2006-07), pages 463-470, XP002457455 ISSN: 1067-1927 abstract page 464, column 1, paragraphs MATERIALS, AND, METHODS page 467; table 1	1-20
X		21-41
		-/-
<input checked="" type="checkbox"/> Further documents are listed in the continuation of Box C.		<input checked="" type="checkbox"/> See patent family annex.
* Special categories of cited documents :		
A document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance		
E earlier document but published on or after the international filing date		
L document which may throw doubts on priority, claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)		
O document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means		
P document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed		
T later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention		
X document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone		
V document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art.		
G document member of the same patent family		
Date of the actual completion of the International search 28 November 2007		Date of mailing of the International search report 07/03/2008
Name and mailing address of the ISA/ European Patent Office, P.B. 5818 Patentlaan 2 NL - 2280 HV Rijswijk Tel: (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl, Fax: (+31-70) 340-3016		Authorized officer Celler, Jakub

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No
PCT/GB2007/003221

C(Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
A	HU ZHEN-FU ET AL: "[Differential gene expression profile of keloids: a study with cDNA microarray]" NAN FANG YI KE DA XUE XUE BAO = JOURNAL OF SOUTHERN MEDICAL UNIVERSITY MAR 2006, vol. 26, no. 3, March 2006 (2006-03), pages 308-312, XP002457456 ISSN: 1673-4254	1-20
X	abstract page 309; table 1	21-41
A	WO 03/097615 A (SCIOS INC [US]; CHAKRAVARTY SARVAJIT [US]; DUGAR SUNDEEP [US]; HIGGINS) 27 November 2003 (2003-11-27)	1-20
X	abstract page 63; claims 36,37,39 page 3, line 32	21-41
A	PUNYADEERA C ET AL: "Oestrogen-modulated gene expression in the human endometrium." CELLULAR AND MOLECULAR LIFE SCIENCES : CMLS JAN 2005, vol. 62, no. 2, January 2005 (2005-01), pages 239-250, XP002457457 ISSN: 1420-682X	1-20
X	abstract	21-41
A	WO 98/21331 A (INCYTE PHARMA INC [US]; AKERBLOM INGRID E [US]; HILLMAN JENNIFER L [US]) 22 May 1998 (1998-05-22)	1-20
X	abstract page 26, paragraphs DIAGNOSTIC, USE figure 2A	21-41
A	LUO YONG ET AL: "[Analysis of differential express gene between keloid and normal skin by suppression subtractive hybridization]" ZHONGGUO XIU FU CHONG JIAN WAI KE ZA ZHI = ZHONGGUO XIUFU CHONGJIAN WAIKE ZAZHI = CHINESE JOURNAL OF REPARATIVE AND RECONSTRUCTIVE SURGERY MAY 2006, vol. 20, no. 5, May 2006 (2006-05), pages 495-498, XP001537632 ISSN: 1002-1892	1-20
X	abstract	21-41
A	CN 1 552 875 A (NO 3 HOSPITAL BEIJING UNIV [CN]) 8 December 2004 (2004-12-08)	1-20
X	abstract	21-41

INTERNATIONAL SEARCH REPORTInternational application No.
PCT/GB2007/003221**Box No. II Observations where certain claims were found unsearchable (Continuation of item 2 of first sheet)**

This International search report has not been established in respect of certain claims under Article 17(2)(a) for the following reasons:

1. Claims Nos.: because they relate to subject matter not required to be searched by this Authority, namely:

2. Claims Nos.: because they relate to parts of the international application that do not comply with the prescribed requirements to such an extent that no meaningful international search can be carried out, specifically:

3. Claims Nos.: because they are dependent claims and are not drafted in accordance with the second and third sentences of Rule 6.4(a).

Box No. III Observations where unity of invention is lacking (Continuation of item 3 of first sheet)

This International Searching Authority found multiple inventions in this international application, as follows:

see additional sheet

1. As all required additional search fees were timely paid by the applicant, this International search report covers allsearchable claims.

2. As all searchable claims could be searched without effort justifying an additional fees, this Authority did not invite payment of additional fees.

3. As only some of the required additional search fees were timely paid by the applicant, this International search report covers only those claims for which fees were paid, specifically claims Nos.:

4. No required additional search fees were timely paid by the applicant. Consequently, this International search report is restricted to the invention first mentioned in the claims; it is covered by claims Nos.:

1-41 (partly)

Remark on Protest

- The additional search fees were accompanied by the applicant's protest and, where applicable, the payment of a protest fee.
- The additional search fees were accompanied by the applicant's protest but the applicable protest fee was not paid within the time limit specified in the Invitation.
- No protest accompanied the payment of additional search fees.

International Application No. PCT/GB2007/003221

FURTHER INFORMATION CONTINUED FROM PCT/ISA/ 210

This International Searching Authority found multiple (groups of) inventions in this international application, as follows:

Invention 1 (claims 1-41(partly))

The methods, kits and arrays of the present claims as characterised by Gene ID 1 of the present Table 1.

Inventions 2-590 (claims 1-41(partly))

The methods, kits and arrays of the present claims as characterised by Gene ID 2-590 of the present Table 1, respectively.

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

Information on patent family members

International application No
PCT/GB2007/003221

Patent document cited in search report	Publication date	Patent family member(s)		Publication date
WO 03097615	A 27-11-2003	AU 2003229305 A1		02-12-2003
		EP 1511738 A1		09-03-2005
		US 2004038856 A1		26-02-2004
WO 9821331	A 22-05-1998	AU 7180198 A		03-06-1998
		CA 2270156 A1		22-05-1998
		EP 0941328 A1		15-09-1999
		JP 2001527524 T		25-12-2001
		US 2002107385 A1		08-08-2002
CN 1552875	A 08-12-2004	NONE		

フロントページの続き

(51) Int.Cl.	F I	テーマコード(参考)
	C 1 2 N 15/00	A
	C 1 2 N 15/00	F

(81)指定国 AP(BW, GH, GM, KE, LS, MW, MZ, NA, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), EA(AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), EP(AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, HU, IE, IS, IT, LT, LU, LV, MC, MT, NL, PL, PT, RO, SE, SI, SK, TR), OA(BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG), AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BH, BR, BW, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK, DM, DO, DZ, EC, EE, EG, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, GT, HN, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KM, KN, KP, KR, KZ, LA, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LY, MA, MD, ME, MG, MK, MN, MW, MX, MY, MZ, NA, NG, NI, NO, NZ, OM, PG, PH, PL, PT, RO, RS, RU, SC, SD, SE, SG, SK, SL, SM, SV, SY, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VC, VN, ZA, ZM, ZW

(74)代理人 100119013
弁理士 山崎 一夫
(74)代理人 100137626
弁理士 田代 玄
(72)発明者 ファーガソン マーク ウィリアム ジェイムズ
イギリス エム13 9エックスエックス マンチェスター グラフトン ストリート 48 イ
ンキュベイター ビルディング リノーヴォ リミテッド内
(72)発明者 ラヴァティ ヒュー ジェラルド
イギリス エム13 9エックスエックス マンチェスター グラフトン ストリート 48 イ
ンキュベイター ビルディング リノーヴォ リミテッド内
(72)発明者 オクルストン ニコラス
イギリス エム13 9エックスエックス マンチェスター グラフトン ストリート 48 イ
ンキュベイター ビルディング リノーヴォ リミテッド内
(72)発明者 オケイン シャロン
イギリス エム13 9エックスエックス マンチェスター グラフトン ストリート 48 イ
ンキュベイター ビルディング リノーヴォ リミテッド内
(72)発明者 ホッジソン ダレン
イギリス エム13 9エックスエックス マンチェスター グラフトン ストリート 48 イ
ンキュベイター ビルディング リノーヴォ リミテッド内
(72)発明者 フレンチ ニール
イギリス エム13 9エックスエックス マンチェスター グラフトン ストリート 48 イ
ンキュベイター ビルディング リノーヴォ リミテッド内
(72)発明者 クライドランド クレア
イギリス エム13 9エックスエックス マンチェスター グラフトン ストリート 48 イ
ンキュベイター ビルディング リノーヴォ リミテッド内
(72)発明者 ロビー フィリップ
イギリス エム13 9エックスエックス マンチェスター グラフトン ストリート 48 イ
ンキュベイター ビルディング リノーヴォ リミテッド内
(72)発明者 バヤット アルデシア
イギリス エム13 9エックスエックス マンチェスター グラフトン ストリート 48 イ
ンキュベイター ビルディング リノーヴォ リミテッド内

F ターム(参考) 4B024 AA01 AA11 AA20 CA01 CA09 CA11 CA20 HA11 HA13 HA14
HA20
4B063 QA01 QA19 QQ02 QQ08 QQ42 QQ52 QQ79 QR08 QR42 QR48
QR55 QR56 QR62 QR84 QS16 QS25 QS33 QS34 QS36 QX01
QX02