

(19) 日本国特許庁(JP)

(12) 公表特許公報(A)

(11) 特許出願公表番号

特表2010-502177

(P2010-502177A)

(43) 公表日 平成22年1月28日(2010.1.28)

(51) Int.Cl.	F I	テーマコード (参考)
<b>C 1 2 Q 1/68 (2006.01)</b>	C 1 2 Q 1/68 A	4 B 0 2 4
<b>G O 1 N 33/53 (2006.01)</b>	G O 1 N 33/53 D	4 B 0 6 3
<b>G O 1 N 37/00 (2006.01)</b>	G O 1 N 33/53 M	
<b>C 1 2 Q 1/02 (2006.01)</b>	G O 1 N 37/00 1 0 2	
<b>C 1 2 N 15/09 (2006.01)</b>	C 1 2 Q 1/02	
審査請求 未請求 予備審査請求 未請求 (全 169 頁) 最終頁に続く		

(21) 出願番号	特願2009-526164 (P2009-526164)	(71) 出願人	507239514
(86) (22) 出願日	平成19年8月28日 (2007. 8. 28)		リノーヴォ リミテッド
(85) 翻訳文提出日	平成21年4月27日 (2009. 4. 27)		イギリス エム13 9エックスエックス
(86) 国際出願番号	PCT/GB2007/003221		マンチェスター グラフトン ストリー
(87) 国際公開番号	W02008/025961		ト 48 マンチェスター インキュベイ
(87) 国際公開日	平成20年3月6日 (2008. 3. 6)		ター ビルディング
(31) 優先権主張番号	0617116.9	(74) 代理人	100082005
(32) 優先日	平成18年8月31日 (2006. 8. 31)		弁理士 熊倉 禎男
(33) 優先権主張国	英国 (GB)	(74) 代理人	100084009
			弁理士 小川 信夫
		(74) 代理人	100084663
			弁理士 箱田 篤
		(74) 代理人	100093300
			弁理士 浅井 賢治
		最終頁に続く	

(54) 【発明の名称】 診断方法

## (57) 【要約】

対象とする癬痕が本来はケロイドであるかケロイドではないかを決定するのに使用する  
方法、キットおよびアレイが提供される。対象とする癬痕における遺伝子発現と対照試料  
における発現の比較に基づいて、これらにより、ケロイドの性質またはケロイドではない  
性質が決定される。対象とする癬痕における遺伝子発現を代表する試料における表1に示  
す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現が、対照試料における同じ遺伝  
子(単数または複数)の発現と比較して低下している場合、このことは対象とする癬痕がケ  
ロイドを含むことを示している。

【選択図】なし

## 【特許請求の範囲】

## 【請求項 1】

対象とする癬痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断する方法において、対象とする癬痕における遺伝子発現を代表する試料における、表1に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現と、コンパレータ組織における、前記少なくとも1つの遺伝子の発現とを比較することを含む前記方法であって、コンパレータ組織における前記少なくとも1つの遺伝子の発現と比較して、対象とする癬痕における前記少なくとも1つの遺伝子の発現が低下していることが、対象とする癬痕がケロイドを含むことを示す前記方法。

## 【請求項 2】

10

方法がin vitro法である、請求項1記載の方法。

## 【請求項 3】

表2に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を比較することを含む、請求項1または請求項2記載の方法。

## 【請求項 4】

表3に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を比較することを含む、請求項1～3のいずれか1つに記載の方法。

## 【請求項 5】

表8に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を比較することを含む、請求項1～4のいずれか1つに記載の方法。

20

## 【請求項 6】

表13に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を比較することを含む、請求項1～5のいずれか1つに記載の方法。

## 【請求項 7】

表17に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を比較することを含む、請求項1～6のいずれか1つに記載の方法。

## 【請求項 8】

表20に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を比較することを含む、請求項1～7のいずれか1つに記載の方法。

## 【請求項 9】

表21に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を比較することを含む、請求項1～8のいずれか1つに記載の方法。

30

## 【請求項 10】

表22に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を比較することを含む、請求項1～9のいずれか1つに記載の方法。

## 【請求項 11】

表24に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を比較することを含む、請求項1～10のいずれか1つに記載の方法。

## 【請求項 12】

表26に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を比較することを含む、請求項1～11のいずれか1つに記載の方法。

40

## 【請求項 13】

対象とする癬痕における遺伝子発現を代表する試料が標的核酸分子を含む、請求項1～12のいずれか1つに記載の方法。

## 【請求項 14】

標的核酸分子がRNAオリゴヌクレオチドを含む、請求項13記載の方法。

## 【請求項 15】

標的核酸分子がDNAオリゴヌクレオチドを含む、請求項13記載の方法。

## 【請求項 16】

対象とする癬痕における遺伝子発現を代表する試料が標的タンパク質分子を含む、請求

50

項1～12のいずれか1つに記載の方法。

【請求項17】

標的分子に特異的に結合できるプローブ分子を用いて遺伝子発現の比較が行われる、請求項13～16のいずれかに記載の方法。

【請求項18】

オリゴヌクレオチドプローブ、抗体およびアプタマーを含む群からプローブ分子が選択される、請求項17記載の方法。

【請求項19】

少なくとも5遺伝子について試料における発現とコンパレータ組織における発現とが比較される、請求項1～18のいずれか1つに記載の方法。

10

【請求項20】

5～10遺伝子について試料における発現とコンパレータ組織における発現とが比較される、請求項1～19のいずれか1つに記載の方法。

【請求項21】

対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断するためのキットであって、

i)対象とする瘢痕における、表1に示す群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に特異的に結合できる少なくとも1つのプローブ;および

ii)コンパレータ組織における前記少なくとも1つの遺伝子の発現レベルを示すことができる標準物質

20

を含む前記キット。

【請求項22】

プローブがオリゴヌクレオチドプローブを含む、請求項21記載のキット。

【請求項23】

プローブが抗体を含む、請求項21記載のキット。

【請求項24】

プローブがアプタマーを含む、請求項21記載のキット。

【請求項25】

プローブが標識プローブである、請求項21～24のいずれかに記載のキット。

【請求項26】

プローブが蛍光標識プローブである、請求項25記載のキット。

30

【請求項27】

プローブが酵素標識プローブである、請求項25記載のキット。

【請求項28】

プローブが放射性標識プローブである、請求項25記載のキット。

【請求項29】

表1に示す群から選択される少なくとも5遺伝子の発現を代表する標的分子に特異的に結合できるプローブを含む、請求項21～28のいずれか1つに記載のキット。

【請求項30】

表1に示す群から選択される5～10遺伝子の発現を代表する標的分子に特異的に結合できるプローブを含む、請求項21～29のいずれか1つに記載のキット。

40

【請求項31】

表2に示す遺伝子;および/または表3に示す遺伝子;および/または表8に示す遺伝子;および/または表13に示す遺伝子;および/または表17に示す遺伝子および/または表20に示す遺伝子;および/または表21に示す遺伝子;および/または表22に示す遺伝子;および/または表24に示す遺伝子;および/または表26に示す遺伝子から選択される少なくとも1つの遺伝子の遺伝子発現を代表する標的分子に特異的に結合できるプローブをキットが含む、請求項21～30のいずれか1つに記載のキット。

【請求項32】

表1に示す遺伝子群から選択される前記少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的核

50

酸のライブラリーを標準物質が含む、請求項21～30のいずれか1つに記載のキット。

【請求項33】

表1に示す遺伝子群から選択される前記少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的タンパク質のライブラリーを標準物質が含む、請求項21～31のいずれか1つに記載のキット。

【請求項34】

表1に示す遺伝子群から選択される前記少なくとも1つの遺伝子の発現に関するデータを標準物質が含む、請求項21～33のいずれか1つに記載のキット。

【請求項35】

診断アルゴリズムをさらに含む、請求項21～34のいずれか1つに記載のキット。

10

【請求項36】

アッセイが正しく行われたことを示すことができるアッセイ対照をさらに含む、請求項21～35のいずれか1つに記載のキット。

【請求項37】

対象とする瘢痕における遺伝子発現を代表する標的分子の集団の製造原料をさらに含む、請求項21～36のいずれか1つに記載のキット。

【請求項38】

アレイに存在するオリゴヌクレオチドプローブの少なくとも7.0%が表1に示す遺伝子群から選択されることを特徴とするオリゴヌクレオチドプローブアレイ。

【請求項39】

表1に示す遺伝子群から選択される遺伝子を代表する核酸プローブが付着したナイロン支持体を含むアレイ。

20

【請求項40】

表1に示す遺伝子群の1以上の発現を代表する分子に特異的に結合できる固定化抗体プローブを含むアレイ。

【請求項41】

表2に示す遺伝子;および/または表3に示す遺伝子;および/または表8に示す遺伝子;および/または表13に示す遺伝子;および/または表17に示す遺伝子および/または表20に示す遺伝子;および/または表21に示す遺伝子;および/または表22に示す遺伝子;および/または表24に示す遺伝子;および/または表26に示す遺伝子から選択される少なくとも1つの遺伝子の遺伝子発現を代表する標的分子に特異的に結合できるプローブをアレイが含む、請求項38～40のいずれか1つに記載のアレイ。

30

【発明の詳細な説明】

【技術分野】

【0001】

本発明は、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断する方法に関する。本発明はまた、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかの診断に使用するのに適したキットおよびオリゴヌクレオチドアレイも提供する。

【背景技術】

【0002】

ケロイド(ケロイド瘢痕とも呼ばれる)は、異常で過形成性の創傷治癒反応により生じる病的瘢痕である。ケロイドは、元の創傷の端部を超えて広がり、創傷部位を囲んでいる正常皮膚を侵す盛り上がった瘢痕を含む。ケロイドは長い期間をかけて増殖を続け、自発的に退行することはない。

40

【0003】

ケロイドは男女に等しい頻度で生じる。ケロイド形成の罹患率は、10歳から30歳の間の男女において増加している。ケロイドは、ピアッシング、外科手術、ワクチン接種、入れ墨、咬創、鈍的外傷および熱傷を含む広範囲の損傷の結果として生じる恐れがある。

【0004】

ケロイドは、“ドーム型”、結節型または隆起型の外観をとりうる。ケロイドは、負傷

50

していない周囲の皮膚の色と同様な色を有する場合もあるが、多くは赤、紫または茶色の外観を有し少し黒ずんだ色をしている。このような色のミスマッチにより、ケロイドの視覚的突出が強められる恐れがある。ケロイドにおける色素増加症の傾向は、太陽の紫外線照射への暴露によって強められる。

【0005】

ケロイド病変は、それぞれが互いにきわめて異なる生物活性を示しうる多くの異なる部分から構成されているとみなすことができる。成熟ケロイド病変の中央部(病変内部分)は主として無細胞性であるのに対し、病変の周辺部(病変周囲部分)は比較的より細胞性であり、血管新生活性が上昇している部位である。新生血管形成の増加は、病変の外側への増殖と関連づけられてきた。

10

【0006】

ケロイドは病的瘢痕の例を代表するものであるが、ケロイドは、主として無傷の皮膚および正常皮膚瘢痕において見出されるものと同じ細胞型および細胞外マトリックス成分から構成されている。しかしながら、これらの細胞型および細胞外マトリックス成分の相対的な存在量および配置は、負傷していない皮膚または正常皮膚瘢痕のいずれにおいて見出されるものとも異なっている。

【0007】

ケロイドの主要成分は細胞外マトリックス成分であるⅠ型コラーゲンである。ケロイド由来の線維芽細胞は、正常皮膚線維芽細胞と比較して、*in vitro*で最大20倍高いⅠ型コラーゲンの発現を示す。同様に、培養ケロイド線維芽細胞は、エラスチンおよびプロテオグリカンを上昇したレベルで発現し、このような細胞外マトリックス沈着の増加がケロイドの発生および維持に役割を果たしうると考えられる。

20

【0008】

ケロイド内に存在するⅠ型コラーゲンは、主として厚い“渦状紋”の形で配置されているが、負傷していない皮膚(いわゆる細繊維の“バスケット織り”)および正常瘢痕(ケロイドで見られるものよりも細いコラーゲン線維を含有し、互いにおおよそ平行に配置されている)に見られる配置とは識別することができる。ケロイド内に多く存在する肥厚性のヒアリン化コラーゲンにより、“ケロイドコラーゲン”と呼ばれるこの形態のコラーゲンが生じた。

【0009】

ケロイドは、正常瘢痕と比較してマクロファージを少なく含むが、好酸球、マスト細胞、血漿細胞およびリンパ球を多く含む。

30

【0010】

ケロイドは、疼痛の原因となることはあまりないが、その形成または増殖中に不快、圧痛、刺激または痒みを引き起こす恐れがある。ケロイドはまた、負傷していない皮膚と比較して、そのサイズにより、あるいはその増加した剛性により機械的機能を損ねる恐れもある。関節の近くにあるケロイドの場合は、特に著しいものとなる恐れがある。さらにまた、ケロイド、特に、大きいかまたは著しく美観を損ねる例では、これらに悩まされる人に心理的苦痛を引き起こす場合があることはよく知られている。

【0011】

ケロイドのさらに非常に有害な特質は、特に外科的切除後におけるそれらの再発傾向である。このような状況下でのケロイドの再発は、通常、病変のさらなる拡大を伴い、以前の切除に続いてケロイドはさらに激しく拡大する場合がある。

40

【0012】

外科的切除が許容され、しばしばより好ましいアプローチであることを除いては、肥厚性瘢痕の治療オプションはケロイドの治療オプションと類似している。

【0013】

ケロイドの場合は、一般に、可能であれば外科的介入を避けることが好ましいことは明らかであろう。高い再発率と、外科的介入によりその再発に悪影響を及ぼすことを考慮すれば、適切な療法を用いるためにはケロイドを正確に診断できることが重要である。現

50

行のケロイドの療法は、コルチコステロイド注射、凍結療法、放射線治療、シリコーンゲル包帯法およびケロイド瘢痕のサイズを減少させるための薬剤の病変内注射を含む。

#### 【0014】

現行の医療においては、瘢痕の外観に基づいてケロイドの診断がなされる。しかしながら、ケロイドの形態は他の病的瘢痕の形態と大変類似しているという事実によりケロイドの正確な診断が妨げられる。ケロイドの外観と肥厚性瘢痕の外観は特に類似している場合がある。肥厚性瘢痕は、それらが皮膚面の上に同様に盛り上がっているという点でケロイド瘢痕と類似している。しかしながら、元の病変の境界内にとどまり最初の損傷の数ヵ月後に自発的に退行しうる点で肥厚性瘢痕はケロイドとは異なる。ケロイドと肥厚性瘢痕とが視覚的に類似しているということは、これら2つの異なる状態間の盛り上がった瘢痕の診断がしばしば紛らわしく、長期モニタリングなしには正確な診断はできないことを意味している。対象とする瘢痕を診断して、それらが本来はケロイドであるのかあるいはそれらが他の病的または過度の瘢痕型、例えば肥厚性瘢痕に属するのかを示すことができる迅速で正確な手段が求められている。

10

#### 【0015】

盛り上がった瘢痕は、ケロイド疾患を伴っていると推定されがちであり、黒人患者の場合は、隆起した瘢痕は、多くの医師によりデフォルトでケロイドと診断されがちである(Rosenborough et al, 2004. J.Natl.Med.Assoc. 96, 108)。この傾向は、ケロイドではない瘢痕(たとえば肥厚性瘢痕または大変ひどい非病的瘢痕)をケロイドであるとする誤認の原因となりうる。このような潜在的誤診は、不適切な瘢痕治療方針の決定につながる恐れがあり、このような誤診された瘢痕の場合は、見込みのある治療的アプローチとしての選択的/瘢痕再置換術の使用を妨げかねないことは明らかであろう。

20

#### 【0016】

上で述べたように、ケロイドは元の損傷の境界を越えて増殖する唯一の病的皮膚瘢痕であることが知られている。この性質は、ケロイドと肥厚性瘢痕の間の鑑別診断を行う根拠を提供しうるものであるが、診断される瘢痕の長期観察の必要性がある場合は、この診断は大変長い時間を必要とする。

#### 【0017】

組織がケロイドであるかケロイドではないかを診断する他の試みには、組織学的評価を用いたものがある。ケロイド診断の適切な根拠を提供するとして示唆されている組織学的特徴には、肥厚性のヒアリン化されたコラーゲンであるいわゆる“ケロイドコラーゲン”があるが、これはすべてのケロイド試料において見られるわけではない。ケロイドを他の病的瘢痕(たとえば肥厚性瘢痕)と識別することを可能にするさらなる特徴には、非線維性真皮乳頭層である、ケロイドにおける非扁平表皮の存在、ケロイド病変を取り囲む“舌状”前縁の存在(正常な外見の表皮および真皮乳頭層の詩下に位置する)、真皮網状層上部に位置する水平細胞線維性索状物の存在および顕著な筋膜様策状物の存在がある。

30

#### 【0018】

しかしながら、ケロイド診断のためのこれらの組織学的手掛かりもまた不十分である。診断マーカーとして示唆された特徴のすべてがすべてのケロイド組織に見いだされるわけではなく、同様に、示唆されたマーカーにはケロイドではない組織に見いだされるものもある。

40

#### 【0019】

さらにまた、ケロイド診断のための組織学的手段の使用には、組織学的試料の調製および分析に消費されるかなりの時間を必要とするばかりでなく、このような分析を実施する人間の側にも技術および判断力の傾注を必要とする。

#### 【0020】

ケロイド瘢痕の診断のための迅速で正確な方法およびキットにより、より信頼性の高い診断を行うことが可能となる。このことにより、皮膚病変の臨床治療に関する正しい決定を行うことが容易となり、ケロイドおよびケロイドではない病変の両方の治療に有利となる。ケロイドと診断された組織の場合において、そうでなければケロイドの再発および拡

50

大を悪化させる治療を避けることが可能となる一方で、ケロイドではない組織の治療において、このような考察が不適切に適用されることはない。さらにまた、早期の正確な診断は緩和ケア療法の成功に関して大きな利点を有すると推定される。なぜなら、多くの利用可能な治療は成熟度の低い瘢痕に対してより有効であると考えられるからである。

#### 【0021】

このように、ケロイドを形成する患者とケロイドを形成しない患者とを識別する能力は、ケロイドを発生する傾向のある患者に、外科手術の制限、従ってケロイド形成のリスクの制限に関して大きな利点を提供することができる。なぜなら、ケロイド形成の予防はケロイドを形成する患者の管理において極めて重要であり、これらの個体には必須ではない美容整形を避けることが推奨されると一般に考えられるからである。

10

#### 【0022】

上記を考慮すれば、ケロイドの診断のための新規な代替法およびキットの提供が必要であることが十分認識されることは明らかであろう。このような方法およびキットは、好ましくは、安全で信頼性のある、ケロイド診断に適したものであることができる。

#### 【発明の概要】

#### 【0023】

ケロイド診断のための新規方法およびマーカーを提供することは、本発明の特定の実施形態の目的である。対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかの診断において、先行技術が達成したものよりもより大きな確実性を可能にする診断方法を提供することは、本発明の特定の実施形態の他の目的である。対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを決定するための、先行技術の方法よりもより優れた診断速度を可能にする診断方法を提供することは、本発明の特定の実施形態の他の目的である。診断を実施するために大きな生検材料を採取する必要のない、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断するための方法を提供することは、本発明の特定の実施形態のさらに他の目的である。ケロイド形成の再発および/または悪化の原因となると考えられる手順を含まない、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断することを可能にする方法を提供することは、本発明の特定の実施形態のさらに他の目的である。

20

#### 【0024】

本発明の第1の側面によれば、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断する方法において、対象とする瘢痕における遺伝子発現を代表する試料における、表1に示す遺伝子群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現と、コンパレータ(comparator)組織における、前記少なくとも1つの遺伝子の発現とを比較することを含む前記方法であって、コンパレータ組織における前記少なくとも1つの遺伝子の発現と比較して、対象とする瘢痕における前記少なくとも1つの遺伝子の発現が低下していることが、対象とする瘢痕がケロイドを含むことを示す前記方法が提供される。

30

#### 【0025】

本発明の第2の側面において、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断するためのキットであって、  
i) 対象とする瘢痕における、表1に示す群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に特異的に結合できる少なくとも1つのプローブ;および  
ii) コンパレータ組織における前記少なくとも1つの遺伝子の発現レベルを示すことができる標準物質  
を含む前記キットが提供される。

40

#### 【0026】

本発明の方法およびキットは、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかのin vitro診断のために用いられることが好ましい。

#### 【0027】

本発明の方法およびキットは、ヒト瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかの診断に使用するのに最も適しているが、本発明の方法およびキットはまた、非ヒト動物における同様な状態、たとえばウマにおける“肉芽組織”の診断に有用であることもできる。

50

## 【0028】

本発明は、その発現が低下していることがケロイド組織の特徴である多数の遺伝子の本発明者による同定に基づく。対象とする瘢痕におけるこれらの遺伝子の1以上の発現とコンパレータ組織において生じる発現との比較が、組織がケロイドであるかケロイドではないかに関する正確で迅速な診断を可能にすることを本発明者は見出した。コンパレータ組織サンプルにおける発現と比較して遺伝子発現が低下していることにより対象とする瘢痕がケロイドと一致することが示されるが、コンパレータと比較して対象とする瘢痕における発現が変わらないまたは上昇していることは、対象とする瘢痕がケロイドではない組織であることを示している。

## 【0029】

表1に見られる遺伝子(すなわち遺伝子番号1～遺伝子番号590を含む群)の発現が低下していることが、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断するために使用できるという所見は驚くべきである。なぜなら、特定の遺伝子の発現(たとえばVEGF、IGF1およびPAI1をコードする遺伝子の発現)はケロイド組織に関連づけられているが、表1に示す遺伝子は、ケロイド瘢痕の特徴としては言うまでもなく、ケロイドに関連していることは今までに同定されていないからである。

## 【0030】

本発明の実施において(本発明の方法、キットまたはアレイのいずれを使用しても)、対象とする瘢痕における遺伝子発現を代表する試料における選択された遺伝子(単数または複数)の発現は適切なコンパレータ組織における同じ遺伝子(単数または複数)の発現と比較される。このような選択された遺伝子(単数または複数)の発現の比較により、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断することが可能となる。もしコンパレータ試料における場合と比較して対象とする瘢痕における遺伝子発現を代表する試料における選択された遺伝子(単数または複数)の発現が低下していれば、それは対象とする瘢痕がケロイド組織を含むことを示す。他方では、もし対象とする瘢痕における発現を代表する試料において選択された遺伝子(単数または複数)の発現の低下がみられなければ(あるいは、むしろこれらの遺伝子の発現の上昇が見られれば)、それは対象とする瘢痕がケロイド組織を含まないことを示す。

## 【0031】

一般に、対象とする瘢痕における選択された遺伝子の発現は、遺伝子発現を代表する標的分子の分析により調査される。適切な調査は、試料中のこのような標的分子の存否の分析(明細書の他の部分でさらに説明する遺伝子発現の定性分析)または試料中の標的分子の相対存在量の分析(明細書の他の部分でさらに詳細に考察されるように、遺伝子発現に関する定性的情報を提供することができる)を含むことができる。

## 【0032】

コンパレータ組織における遺伝子発現は、適切な標的分子を含む組織または組織抽出物により示すこともでき、あるいはコンパレータ中の遺伝子発現レベルの詳細を提示するデータにより示すこともできる。適切な標的分子の同定、単離および分析は、コンパレータ組織サンプルにおける情報の提供として明細書の他の部分でさらに詳しく説明する。

## 【0033】

本開示のためのコンパレータ組織は、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断することを可能にするための、対象とする瘢痕における遺伝子発現を比較することができる組織である。特に、表1に示す少なくとも1つの遺伝子の、対象とする瘢痕における発現は、コンパレータ組織における同じ遺伝子(単数または複数)の発現と比較される。

## 【0034】

本発明記載の使用のために、適切なコンパレータ組織として、多くの異なる組織型を用いることができる。適切なコンパレータ組織は正常皮膚を含む。本目的のために、正常皮膚はケロイド瘢痕以外に存在する皮膚と考えることができ、好ましくは、瘢痕のない負傷していない皮膚と考えることができる。

10

20

30

40

50

## 【 0 0 3 5 】

あるいは、本発明に使用するのに適したコンパレータ組織は、既知のケロイド由来の組織であることができる。例えば本発明による使用のための適切なコンパレータ組織は、既知のケロイドに隣接した皮膚由来の組織(本明細書においては、“ケロイド外(extra-keloid)コンパレータ組織”とも呼ぶ)を含むことができる。また、適切なコンパレータ組織は、既知のケロイドの周辺部位由来の組織(本明細書においては、“ケロイド周囲(peri-keloid)コンパレータ組織”とも呼ぶ)を含むことができる。さらなる代替物において、適切なコンパレータ組織は既知のケロイドの内部由来の組織(ケロイド内(intra-keloid)コンパレータ組織”とも呼ぶ)を含むことができる。

## 【 0 0 3 6 】

10

本発明においては、“コンパレータ試料”は、コンパレータ試料が由来するコンパレータ組織における選択された遺伝子の発現に関する情報を提供する任意の試料(例えば、本明細書において他の部分で考察する組織抽出物など)を含む。

## 【 0 0 3 7 】

本発明に従って、表1に示す遺伝子群により示される任意の遺伝子を使用することができるが、これらの遺伝子の特定のサブセットが特別な診断的価値を有することを本発明者はさらに見出した。これらのサブセットを下記に示しさらに詳細に考察する。

## 【 0 0 3 8 】

本発明者は、表1に示す特定の遺伝子の発現がケロイド病変の異なる部位の間で変化することに注目した。本発明による診断(本発明の方法、キットまたはアレイのいずれを用いても)をさらに改善するためにこの情報を使用できる。

20

## 【 0 0 3 9 】

本発明者はまた、本発明の方法およびキットで調査することができる好ましい遺伝子は、それらの生物学的機能を参照して選択することができることも見出した。

## 【 0 0 4 0 】

対象とする診断される瘢痕を代表する対象とする試料は、試料が由来する瘢痕中の位置を参照してさらに特徴づけることができる。この根拠に基づいた対象とする試料の特徴づけにより、本発明により行われる診断の有効性が改善されることを本発明者は見出した。対象とする試料は、病変周囲(つまり、対象とする瘢痕を含む病変の周辺から採取した試料)および病変内(対象とする瘢痕を含む病変の内部から採取した試料)として特徴づけることができる。

30

## 【 0 0 4 1 】

対象とする病変周囲試料の診断に用いることができる表1からの遺伝子を表2に示す。表2に示す遺伝子の1以上の比較に基づいて本発明による診断(本発明の方法、キットまたはアレイのいずれを用いても)を行うことができることは好ましい実施形態である。

## 【 0 0 4 2 】

対象とする病変内試料の診断に用いることができる表1からの遺伝子を表20に示す。表20に示す遺伝子の1以上の比較に基づいて本発明による診断(本発明の方法、キットまたはアレイのいずれを用いても)を行うことができることは好ましい実施形態である。

## 【 0 0 4 3 】

40

上記のように、本発明による診断に使用するのに適したコンパレータ組織は、それらの供給元を参照して正常皮膚コンパレータ;ケロイド外コンパレータ;ケロイド周囲コンパレータ;またはケロイド内コンパレータと特徴づけることもできる。対象とする瘢痕におけるそれらの位置を参照して特徴づけられる対象とする試料における遺伝子発現と上記のように特徴づけられるコンパレータの遺伝子発現とを比較することにより、本発明による診断を改善することができることを本発明者は見出した。

## 【 0 0 4 4 】

従って、対象とする病変周囲試料における遺伝子発現と正常皮膚コンパレータにおける遺伝子発現とを比較することが好ましい場合がある。診断を提供するためにこのような試料間で発現を比較することができる適切な遺伝子の例を表3に示す。これらの遺伝子を、

50

それらの生物学的機能を参照してさらに特徴づけることができる。よって、表4に示す遺伝子は細胞運動性に関連する遺伝子を表し、表5に示す遺伝子は細胞接着に関連し、表6に示す遺伝子は炎症に関連し、表7に示す遺伝子は新生血管発生(特に血管新生)に関連する。

【0045】

これに代えて、あるいはこれに加えて、対象とする病変周囲試料における遺伝子発現とケロイド外コンパレータにおける遺伝子発現とを比較することが好ましい場合がある。診断を提供するためにこのような試料間で発現を比較することができる適切な遺伝子の例を表8に示す。これらの遺伝子を、それらの生物学的機能を参照してさらに特徴づけることができる。よって、表9に示す遺伝子は細胞運動性に関連する遺伝子を表し、表10に示す遺伝子は細胞接着に関連し、表11に示す遺伝子は炎症に関連し、表12に示す遺伝子は新生血管発生(特に血管新生)に関連する。

10

【0046】

これに代えて、あるいはこれに加えて、対象とする病変周囲試料における遺伝子発現とケロイド周囲コンパレータにおける遺伝子発現とを比較することが好ましい場合がある。診断を提供するためにこのような試料間で発現を比較することができる適切な遺伝子の例を表13に示す。このような比較に基づく診断は、治癒過程における異なる時点での、対象とする組織およびコンパレータにおける遺伝子発現を含むことは明らかであろう。用いられる時点に関する情報は表13に示される。表13に示す遺伝子を、それらの生物学的機能を参照してさらに特徴づけることもできる。よって、表14に示す遺伝子は細胞接着に関連し、表15に示す遺伝子は炎症に関連し、表16に示す遺伝子は新生血管発生(特に血管新生)と関連する。

20

【0047】

これに代えて、あるいはこれに加えて、対象とする病変周囲試料における遺伝子発現とケロイド内コンパレータにおける遺伝子発現とを比較することが好ましい場合がある。診断を提供するためにこのような試料間で発現を比較することができる適切な遺伝子の例を表17に示す。これらの遺伝子を、それらの生物学的機能を参照してさらに特徴づけることができる。よって、表18に示す遺伝子は細胞運動性に関連する遺伝子を表し、表19に示す遺伝子は炎症と関連する。

30

【0048】

これに代えて、あるいはこれに加えて、対象とする病変内試料における遺伝子発現と正常皮膚コンパレータにおける遺伝子発現とを比較することが好ましい場合がある。診断を提供するためにこのような試料間で発現を比較することができる適切な遺伝子の例を表21に示す。

【0049】

これに代えて、あるいはこれに加えて、対象とする病変内試料における遺伝子発現とケロイド外コンパレータにおける遺伝子発現とを比較することが好ましい場合がある。診断を提供するためにこのような試料間で発現を比較することができる適切な遺伝子の例を表22に示す。これらの遺伝子を、それらの生物学的機能を参照してさらに特徴づけることができる。よって、表23に示す遺伝子は細胞運動性に関連する遺伝子を表す。

40

【0050】

これに代えて、あるいはこれに加えて、対象とする病変内試料における遺伝子発現とケロイド周囲コンパレータにおける遺伝子発現とを比較することが好ましい場合がある。診断を提供するためにこのような試料間で発現を比較することができる適切な遺伝子の例を表24に示す。これらの遺伝子を、それらの生物学的機能を参照してさらに特徴づけることができる。よって、表25に示す遺伝子は細胞接着と関連する。

【0051】

これに代えて、あるいはこれに加えて、対象とする病変内試料における遺伝子発現とケロイド内コンパレータにおける遺伝子発現とを比較することが好ましい場合がある。診断を提供するためにこのような試料間で発現を比較することができる適切な遺伝子の例を表

50

26に示す。このような比較に基づく診断は、治癒過程における異なる時点での、対象とする組織およびコンパレータにおける遺伝子発現を含むことは明らかであろう。用いられる時点に関する情報は表26に示される。表26に示す遺伝子を、それらの生物学的機能を参照してさらに特徴づけることもできる。よって、表27に示す遺伝子は炎症と関連し、表28に示す遺伝子は新生血管発生(特に血管新生)と関連する。

【0052】

本発明による診断は、本発明の方法、キットまたはアレイのいずれを用いても、表2~28の1以上から独立して選択された1以上の遺伝子の比較を用いることが好ましい場合がある。

【0053】

本発明による診断を行うことを望む当業者は、対象とする瘢痕から入手できる試料の性質を考察し、利用可能なコンパレータ試料の性質を考察し、それによって、上記の考察を参照して適切な遺伝子発現を選択することができる。

【0054】

本発明の方法、キットまたはアレイは表2~28の2以上から選択された遺伝子の比較を含むことができることが特に好ましい。例えば、好ましい方法、キットまたはアレイは表2~28の2つのそれぞれから選択された少なくとも1つの遺伝子の比較を含むことができ、より好ましい方法、キットまたはアレイは表2~28の3つのそれぞれから選択された少なくとも1つの遺伝子の比較を含むことができ、よりさらに好ましい方法、キットまたはアレイは表2~28の4つのそれぞれから選択された少なくとも1つの遺伝子の比較を含むことができ、最も好ましい方法、キットまたはアレイは表2~28の5以上のそれぞれから選択された少なくとも1つの遺伝子の比較を含むことができる。

【0055】

表1から選択された1つの遺伝子の、対象とする瘢痕における遺伝子発現を代表する試料における発現とコンパレータ試料における発現とを比較することにより、本発明による、対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかの診断を行うことができる。しかしながら、表1からの複数の遺伝子を用いることが好ましい。従って、表1から選択された最大5つまでの遺伝子の発現を比較することにより本発明による診断が行われることが好ましい場合がある。表1から選択された5、6、7、8、9または10遺伝子の発現を比較することにより本発明による診断が行われることが特に好ましい。表1から選択された最大20または最大50までの遺伝子の発現を比較することにより診断を行うことができる。表1から選択された最大100、200、300、400までの、あるいはさらに最大500までの遺伝子の発現を比較することにより本発明による診断を行うことができる。実際、場合によっては、表1から選択された500以上の遺伝子の発現を比較することにより、本発明による、対象とする瘢痕ケロイドであるかケロイドではないかの診断が行われることが好ましい場合がある。必要に応じて、表1に示した590遺伝子の全部または一部を用いて診断を行うことができる。

【0056】

本発明に関連する対象とする瘢痕は、瘢痕がケロイド組織を含むかケロイドではない組織を含むかを診断することが望ましい任意の瘢痕であることができる。皮膚瘢痕が対象とする適切な瘢痕の好ましい例を構成することは明らかであろう。ケロイドと重症または病的瘢痕の他の形態、たとえば肥厚性瘢痕とを識別する能力は大変価値がある。このような識別により、診断された瘢痕の型に適した臨床治療の選択が可能となる。よって、過度のまたは病的皮膚瘢痕の診断の実施における本発明の方法およびキットの使用は、それらの使用の特に好ましい例を表している。

【0057】

対象とする瘢痕は、好ましくは、ケロイド形成のリスクが高いと考えられる個体由来であることができる。このような個体の例は、ケロイド形成歴を有する患者、アフリカ大陸系集団(African Continental Ancestry Group)の個体またはアジア大陸系集団(Asian Continental Ancestry Group)の個体を含む。

## 【0058】

対象とする適切な瘢痕は、皮膚に損傷を受けた個体由来であることができる。特に、これらは、ケロイド形成の高いリスクが存在する部位に損傷を受けた個体を含むことができる。このような部位の例は、一般的には、胸部、背部、肩または頸部などの高い皮膚張力を有する部位を含むことができる。しかしながら、関連する部位には、高い皮膚張力を受けてはいないがケロイド形成のよく見られる、耳たぶなどの部位を含むことができる。

## 【0059】

本発明の方法、キットおよびアレイを用いる診断は、皮膚創傷を経験した患者からの対象とする瘢痕の診断ばかりでなく、皮膚外傷を経験した患者からの対象とする瘢痕の診断にも有用であることができる。

10

## 【0060】

本発明においては、“皮膚創傷”は、皮膚の部分的または全体的貫通が生じている状態または臨床状態ばかりでなく、皮膚の1以上の層の部分的または全体的破壊が生じている状態または臨床状態も含むと考えることができる。例えば、創傷は、穿刺創、切開創、切除創および部分層または全層植皮(ドナー部位およびレシピエント部位の両方を含む)を含むことができる。このような創傷は、外科手術または事故による損傷と関連することができる。創傷はまた、皮膚に損傷を与えるのに十分な高温または低温の物質に皮膚を暴露することにより生じる熱傷または熱湯傷を含むこともできる。化学“熱傷”、例えば酸またはアルカリへの皮膚の暴露により引き起こされるものおよび美容処置、例えば皮膚剥離または剥離(いわゆる“化学剥皮”および“レーザー剥皮”を含む)もまた、本発明による診断を行うことが望まれる組織を生じさせる恐れがある。

20

## 【0061】

本発明においては、“皮膚外傷”は、皮膚を損傷してはいるが貫通していない損傷のことをいうと考えることができる。皮膚外傷と考えることができる損傷の具体例は、皮膚の挫滅傷ばかりでなく、他の“鈍”傷も含む。

## 【0062】

前節に、本発明による診断によって特に利益を得ることができる個体または対象とする瘢痕の例が述べられているが、本発明の方法、キットおよびアレイは、対象とする任意の瘢痕、特にケロイド瘢痕と考えられる瘢痕の診断に有利に使用できることは明らかであろう。一般に、ケロイド瘢痕であることが疑われる組織は以下の群:周囲の皮膚と比較して隆起したプロフィール;元の境界を越えて増殖する病変;以前の皮膚創傷または外傷の部位での病変;周囲の皮膚と比較して色素沈着低下または過剰、から選択される1以上の特質を示す。

30

## 【0063】

本発明による、対象とする瘢痕における遺伝子発現を代表する試料は、対象とする瘢痕により発現される遺伝子に関する情報を提供できる任意の試料を含む。

## 【0064】

対象とする瘢痕由来の任意の適切な試料を用いることができる。好ましい試料は生検材料を含み、利用可能であれば、創傷組織、創傷液、創傷吸引物または創傷滲出物の試料を含む。好ましくは、このような生検は、患者に加えられる損傷のレベルを抑えるように選択されたものであって、それによって損傷を限定し、(さらなる)ケロイド形成のリスクを抑制することが見出されたものである。生じる損傷レベルを低下させるために、このような技術には、例えば、針生検を利用することができる。当該試料が由来する対象とする瘢痕の、本発明による診断に、上記した試料形態のいずれも使用できる。

40

## 【0065】

適切な試料は、組織学的切片または凍結切片などの組織切片を含むことができる。切片が由来する、対象とする瘢痕における遺伝子発現を代表する情報を提供できるように調製された切片による方法は当業者に公知であり、遺伝子発現を調査するときに使用することを目的とする技術を参照して選択することができる。

## 【0066】

50

対象とする癥痕の一部を含む試料の使用は考えられるが、遺伝子発現を代表する試料が、対象とする癥痕から採取された適切な抽出物であって、対象とする癥痕における遺伝子発現に関する情報を提供するために調査することができる前記抽出物を含むことが一般に好ましい可能性がある。対象とする癥痕における遺伝子発現に関する情報を提供できる組織抽出物の調製に使用できる適切なプロトコルは当業者に公知である。好ましいプロトコルは、遺伝子発現を調査する方法を参照して選択することができる。対象とする癥痕における遺伝子発現を代表する組織抽出物を調製するために使用できるプロトコルの具体例を以下に述べる。

#### 【0067】

どの診断を行うかに関して、対象とする癥痕を参照して、本発明の方法、キットまたはアレイに使用するための適切なコンパレータ試料を選択することができる。好ましくは、コンパレータ組織は、対象とする癥痕にできる限り適合したものである(マッチングには、組織型、組織部位などを考慮することができる)。適切なコンパレータ試料の供給元および例は当業者に明らかであり、既知のケロイドに対するそれらの位置を参照して選択された、ケロイド形成者由来の試料ばかりでなく、ケロイド形成の傾向がない個体由来の試料も含む(すなわちケロイドではない組織、ケロイド外組織、病変周囲組織または病変内組織)。皮膚が、コンパレータ試料の好ましい供給元を構成することは明らかであろう。

#### 【0068】

適切なコンパレータ試料は、遺伝子発現を代表する標的分子を含むケロイドではない組織または臓器の部分を含むことができる(この場合、組織における遺伝子の発現に関する情報を、たとえば標的分子の分析により組織から抽出することができるように組織を保存しなければならない)。また、コンパレータ試料における遺伝子発現を代表する抽出されたおよび/または単離された標的分子(たとえばmRNAまたはcDNA)を組み込んだ組織抽出物を適切なコンパレータ試料は含むことができる。コンパレータ試料における遺伝子発現に関する関連情報は、明細書の他の部分で考察されているように、このような試料由来のデータの形で提供することもできる。

#### 【0069】

選択された遺伝子の発現に関する情報を引き出すことができるコンパレータ試料は、本明細書において対象とする癥痕由来の試料を参照して考察された組織サンプルおよび組織抽出物を含む。例えば、このような情報は、コンパレータ試料を構成する組織または臓器試料から、あるいは選択された対照サンプルにおける遺伝子発現に関する情報を提供できる抽出物から直接に引き出すことができる。対象とする癥痕における遺伝子発現の調査に関連した本明細書記載の方法を用いて、このタイプのコンパレータ試料における選択された遺伝子(単数または複数)(表1に示す遺伝子群から選択される)の発現を調査することができる。

#### 【0070】

コンパレータ試料を構成する組織もしくは臓器試料またはこのような試料からの抽出物は、(明細書の他の部分で先に述べたように)コンパレータ試料における遺伝子発現に関する情報の供給元として直接使用することができるが、コンパレータ試料における選択された遺伝子(単数または複数)の発現に関する情報が参照データの形で提供されることが一般に好ましい。選択されたコンパレータ組織における遺伝子発現を示す表の形で、このような参照データを提供することができる。また、選択されたコンパレータ組織における遺伝子発現を示す検索情報を含むコンピュータソフトウェアの形で参照データを供給することもできる。例えば、対象とする癥痕における少なくとも1つの選択された遺伝子(単数または複数)の発現と、コンパレータ組織サンプルにおける同じ遺伝子(単数または複数)の発現との比較を可能にするアルゴリズムの形で参照データを提供することができる。

#### 【0071】

本発明の好ましい実施形態において、対象とする癥痕がケロイドであるかケロイドではないかに関する診断は、対象とする癥痕における選択された遺伝子の発現を示す結果を、適切なコンパレータ試料における遺伝子発現を代表するデータで訓練された予測アルゴリ

10

20

30

40

50

ズムに入力することにより自動的に提供することができる。確立され、一般的に用いられる分類システムは、限定するものではないが、例えば、Partek Genomics Suite ソフトウェアパッケージ(Partek Inc.)で利用可能なk近傍法、重心分類法(Centroid Classification)、線形判別分析、ニューラルネットワークおよびサポートベクターマシンを含む。

#### 【0072】

対象とする癬痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を代表する適切な試料は、遺伝子発現に関する定性的および/または定量的情報を提供できる。本発明においては、遺伝子発現に関する定性的情報は、対象とする癬痕またはコンパレータ試料において発現される遺伝子に関する同定を、発現の相対量に関する情報を(特定の遺伝子が発現されるか発現されないかを除いて)提供せずに提供する情報であると考えられる。場合によっては、対象とする癬痕がケロイドであるかケロイドではないかに関する診断を可能にする、対象とする癬痕における発現とコンパレータ試料における発現との十分な比較を定性的情報が可能にすることができることは明らかであろう。

10

#### 【0073】

コンパレータ試料において通常発現されるが、ケロイドにおいて全く発現されない表1の遺伝子の発現が低下していることに基づく定性的情報は診断に特に適している可能性がある。このような場合、対象とする癬痕における遺伝子の発現の欠如は、ケロイド形成の高いリスクを示すのに十分である。例には、遺伝子番号2、3および4で特定される遺伝子が含まれ、これらの遺伝子の発現を調査することは本発明の好ましい実施形態であることができる。これらの遺伝子の発現を対象とする病変内癬痕と正常皮膚コンパレータとの間で(定量的または定性的に)比較するとき、これらの遺伝子を診断の根拠として使用できることを本発明者は見出した。

20

#### 【0074】

しかしながら、対象とする癬痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現に関する定量的情報を提供できる試料を使用することが一般に好ましい。このような情報により、対象とする癬痕における発現レベルとコンパレータ試料における発現レベルとの比較が容易となる。本発明においては、遺伝子発現に関する定量的情報は、絶対または相対定量のいずれかを指すと解釈することができる。絶対または相対定量を達成できる方法については、以下でさらに詳細に説明する。

#### 【0075】

対象とする癬痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を代表する試料は、一般に直接または間接に遺伝子発現を代表する標的分子を含む。適切な試料は、このような標的分子を含有する組織サンプルの形で、あるいは好ましくは組織抽出物として提供できる。対象とする癬痕における遺伝子発現を代表する組織抽出物は、一般に抽出物が入手される組織における遺伝子発現を代表する単離された標的分子を含む。

30

#### 【0076】

遺伝子発現としての情報を提供できるような、組織サンプルまたは組織抽出物を入手できる適切な技術は、用いられる標的分子の型を参照して選択することができる。使用できる適切な技術の例は当業者に明らかであると思われるが、本明細書においても、他の部分で適切な技術に関する手引きが示されている。

40

#### 【0077】

標的タンパク質分子が、直接検出に特に感受性が高い標的分子を表すことは明らかであろう。このような直接検出は、対象とする癬痕またはコンパレータ試料に存在するタンパク質の量に関する定性的または定量的情報を提供し、それによって発現の比較を可能にすることができる。

#### 【0078】

好ましい例において、試料に存在する特定の標的タンパク質の量は、試料中の標的の生物活性を参照して評価することもできる。このような発現の評価および比較は、酵素活性を有する標的タンパク質の場合に特に適している。酵素活性を有し、それによりこのような調査に特に適した、表1に示す遺伝子の例は、遺伝子番号8、22、24、29、44、46、54、

50

56、60、69、70、75、93、94、97、102、123、133、138、147、148、150、152、159、167、170、186、194、195、209、216、221、228、232、234、239、243、262、268、289、291、293、304、306、323、324、326、357、358、359、361、366、382、385、395、398、400、402、412、419、420、437、440、446、452、456、459、460、466、467、469、472、485、486、502、505、514、516、517、534、540、558、563、569、575、581、582および587で特定される遺伝子を含む。標的タンパク質の酵素活性は、例えば、標識酵素基質の分解を分析することにより調査でき、それによって酵素活性量を対象とする瘢痕またはコンパレータ試料において生じる遺伝子発現と関連づけることができる。一例にすぎないが、遺伝子番号56、366、412および581で特定される酵素はすべてタンパク質分解活性を有し、従って、それらの基質をタンパク質分解活性により分解するそれらの能力を参照してこれらの酵素の存否を評価できるであろう。

10

#### 【0079】

組織サンプルまたは抽出物における標的分子の存否は、一般に適切なプローブ分子を用いて検出される(とはいえ、上記のように、プローブを必要とせずに標的分子の存否を直接に測定できる場合もある)。このような検出により遺伝子発現に関する情報が提供され、それによって、対象とする瘢痕に生じる遺伝子発現とコンパレータ試料に生じる発現とを比較することが可能となる。このような比較に基づいて本発明による診断を行うことができる。

#### 【0080】

プローブは、一般に、対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を直接または間接に代表する標的分子に特異的に結合できる。ついでこのようなプローブの結合を評価し、遺伝子発現と関連づけることによって、対象とする瘢痕における遺伝子発現とコンパレータにおける効果的な診断の比較を可能にすることができる。本発明の方法、キットおよびアレイに使用できる適切なプローブは、本明細書の他の部分で説明されている。

20

#### 【0081】

以下により詳細に考察するように、本発明の方法、キットおよびアレイに使用するのに適した標的分子は、直接または間接に遺伝子発現を代表する分子である。標的分子は、mRNA遺伝子転写産物ばかりでなく、このような転写産物の天然および人工の産物(例えばそれぞれタンパク質またはcDNA)を含むことができる。本発明に使用する試料は、用いられる標的分子の性質を参照して選択された方法で処理されるべきであることは明らかであろう。使用できる標的分子を含有する試料を得るために組織を処理する適切なプロトコルを以下にさらに説明する。

30

#### 【0082】

適切な標的分子は遺伝子発現の直接産物を含むことができる。このような遺伝子発現の直接産物は、例えば、遺伝子発現を代表する1以上の遺伝子転写産物を含むことができる。対象とする瘢痕における遺伝子発現とコンパレータ試料における発現の比較を可能にする標的分子としてのmRNA遺伝子転写産物の使用は、本発明の好ましい実施形態である。

#### 【0083】

また、対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を代表する試料は、遺伝子発現を間接的に代表する標的分子を含むことができる。遺伝子発現を間接的に代表するこのような標的の例は、遺伝子転写産物の翻訳により生成される天然物(例えばタンパク質)ばかりでなく、遺伝子転写産物から生成される人工の産物も含むことができる。遺伝子転写産物から生成される人工の標的分子の好ましい例はcDNAおよびcRNAを含み、これらはいずれも公知のプロトコルまたは市販キットもしくは試薬を用いて生成されることができる。

40

#### 【0084】

例えば、好ましい実施形態において、対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を代表するRNAは、適切な試料から採取される細胞を溶解し(このことは市販の溶解緩衝液、例えばQiagen Ltd.製のものをを用いて達成できる)、ついで市販の核酸分離力

50

ラム(例えば、Qiagen Ltd製のRNeasy midi spin column)を用いて溶解物を遠心分離する工程により単離することができる。RNA抽出のための他の方法は、Chomczynski, P. and Sacchi, N. (1987) Analytical Biochemistry 162, 156. "Single Step Method of RNA Isolation by Acid Guanidinium Thiocyanate-Phenol-Chloroform Extraction" のフェノールおよびイソチオシアン酸グアニジンの方法の変法を含む。この方法で得られるRNAは、適切な標的分子自体を構成することもできるし、遺伝子発現を代表する標的分子の産生の鑄型として用いることもできる。

【0085】

対象とする瘢痕またはコンパレータ試料由来のRNAは、例えばSuperscript System(Invitrogen Corp.)を用いるcDNA合成の基質として使用できることが好ましい場合がある。次いで得られたcDNAをピオチン化cRNAに変換し(例えば、Enzo Life Sciences Inc.製のBioArray RNA Transcript標識キットを用いて)、ついでこのcRNAを反応混合物から精製する(例えばQiagen Ltd製のRNeasy miniキットを用いて)ことができる。

【0086】

標的タンパク質分子の場合は、存在する標的タンパク質の総量を参照して遺伝子発現を評価することができる。対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を代表する試料に存在する標的タンパク質の量の測定のための適切な技術は、限定するものではないが、アプタマーおよび抗体ベースの技術、例えばラジオイムノアッセイ(RIA)、酵素免疫測定法(ELISA)およびウェスタンブロット法、イムノPCRおよび多重アプローチ、例えばビーズまたはマイクロスフェアを用いる技術(例えば、Luminex IncのxMap 技術)を含む(Bloom and Dean (2003) Biomarkers in Clinical Drug Development; Crowther (1995) Elisa Theory and Practice (Humana Press); Singh et al (1993) Diagnostics in the year 2000: Antibody, Biosensor and nucleic acid Technologies (Van Nostrand Reinhold, New York); Niemeyer CM, Adler M, Wacker R. Immuno-PCR: high sensitivity detection of proteins by nucleic acid amplification. Trends Biotechnol. 2005 Apr; 23(4):208-16; Abreu I, Laroche P, Bastos A, Issert V, Cruz M, Nero P, Fonseca JE, Branco J, Machado Caetano JA. Multiplexed immunoassay for detection of rheumatoid factors by FIDISTM technology. Ann N Y Acad Sci. 2005 Jun;1050:357-63)。

【0087】

前節に示された文献の開示は、本発明の実施において当業者に有用な方法を記載している範囲で、参照により本願に包含される。

【0088】

例えば適切な標的分子を単離するために、コンパレータ試料を構成する組織または臓器試料の処理により、あるいはコンパレータ試料における遺伝子発現を代表する組織抽出物の処理により、コンパレータ試料における表1からの1以上の遺伝子の発現が調査される場合、対象とする瘢痕からの試料を処理するために用いられた方法と同じ方法を用いてこのような処理がおこなわれることが好ましい。対象とする瘢痕およびコンパレータ組織の両方からの試料のこのような並列処理により、これらの組織における遺伝子発現の比較が互いに正規化されるより大きな信頼度を与える(組織を処理し、遺伝子発現を調査するための選択された方法と関連する任意のアーチファクトが、対象とする瘢痕およびコンパレータ試料の両方に生成するので)。

【0089】

さらにまた、この方法におけるコンパレータ試料の並列処理は、処理が首尾よくなされたかどうかを医師が確認できる“内部対照”を備える。発現の比較のために選択された、表1からの選択された1以上の遺伝子は通常はコンパレータ組織により発現されることを医師を認識しているため、これらの内部対照の発現が検出できないことを示すアッセイをもたらず処理(遺伝子発現の調査のため)の事例を医師はいずれも無視することができる(これらの結果は、人為的に低い測定値をもたらす処理エラーの結果として生じたと推定されるため)。そうしないと、このような結果は、対象とする瘢痕がケロイド組織を含むという間違った評価を生じさせる恐れがある(表1からの選択された遺伝子(単数または複数)に

関して、評価される発現に同じ人為的低下が記録されることになるため)。

【0090】

遺伝子発現の比較を行う前に、対象とする瘢痕またはコンパレータ組織における遺伝子発現を代表する試料を処理することができる。このような操作は、例えば、発現の比較を容易にさせたり、比較により利用可能となる情報を増加させるために設計されることができる。このような試料を処理できる適切な方法の例は以下で考察する。

【0091】

好ましくは、本発明の方法またはキットは、対象とする瘢痕およびコンパレータ組織に関連する発現データが互いに“正規化される”ことができる手段を提供する。正規化により、なされる比較が“同種(like for like)”比較であることが確実にされ、正規化に用いられる適切なパラメータは当業者に公知である。単に例としてであるが、比較する試料における細胞数;および/または比較する試料の総タンパク質量;および/または比較する試料の総核酸量;および/またはケロイドとケロイドではない組織との間で発現が変化しない1以上の遺伝子の発現レベルを参照して正規化を行うことができる。これに代えて、あるいはこれに加えて、適切な対照はケロイドにおいて発現されることが知られている1以上の遺伝子の発現を評価することを含む。このような遺伝子の発現の検出(表1に示す遺伝子の1以上の発現の低下と組み合わせて)により、遺伝子発現を参照できる適切な対照が提供される。本明細書の他の部分で、このような遺伝子の適切な例を考察する。

10

【0092】

本発明に使用する遺伝子発現を代表する好ましい試料は、遺伝子発現を代表する標的核酸分子を含む試料であることを本発明者は見出した。本発明においては、標的核酸は、その存否が検出されるかまたは存在するその量が定量される核酸である。このような検出または定量により、発現の診断上の比較が行われることが可能となる。標的核酸は、好ましくは、標的に対する対応するプローブの核酸配列に相補的な配列を有することができる。本発明による標的核酸は、プローブの対象とするより大きな核酸の特定の配列あるいは、発現レベルを検出することが望ましい全配列(例えば全mRNA転写産物)の両方を含むことができる。適切な標的核酸はRNAおよびDNAの両方を含むことができ、天然に存在する核酸および人工核酸の両方を含むことができる。

20

【0093】

当然のことながら、本発明に使用するのに適した標的核酸は“完全長”核酸(例えば完全長遺伝子転写産物)を含む必要はなく、単にプローブ分子の特異的結合を可能にする十分な長さを含む必要があるだけである。

30

【0094】

当然のことながら、本発明においては、“核酸”または“核酸分子”は、一本鎖または二本鎖形のいずれかのデオキシリボヌクレオチドまたはリボヌクレオチドポリマーを指す。さらにまた、特記しない限り、天然に存在するヌクレオチドと同様に作用できる天然のヌクレオチドの既知のアナログを含むと、これらの用語は理解されるべきである。

【0095】

mRNAは、本発明の方法およびキットに使用できる標的分子の好ましい種類を構成する。mRNA遺伝子転写産物は、対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を直接に代表する。

40

【0096】

遺伝子発現を代表するmRNAは、mRNAの抽出または精製を必要とせずに対象とする瘢痕またはコンパレータ試料中に直接見出すことができることは明らかであろう。例えば、このような組織の適切に固定された切片または生検材料を用いて、対象とする瘢痕またはコンパレータ試料中に存在し遺伝子発現を代表するmRNAを調査することができる。この種の試料の使用は、発現の比較を迅速に行うことができるという利点ばかりでなく、試料を作成するために比較的安価で簡単な組織処理を用いることができるという利点も提供することができる。in situハイブリダイゼーション技術は、この種の組織試料において遺伝子発現を調査し比較することができる好ましい方法を代表している。対象とする瘢痕またはコ

50

ンパレータ試料における遺伝子発現を代表するRNAの可用性を維持する対象とする癥痕の処理技術は当業者に公知である。

【0097】

しかしながら、対象とする癥痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を代表するmRNAを抽出し回収できる技術は当業者に公知であり、このような技術を本発明に好都合に用いることができることを本発明者は見出した。対象とする癥痕またはコンパレータ試料由来の抽出されたmRNAを含む試料は、本発明の方法およびキットに好都合に使用することができる。なぜなら、このような抽出物は、元の組織を含む試料における場合よりも、より容易に調査するのに役立つからである。例えば、遺伝子発現の比較を可能にする適切な標的分子は、対象とする癥痕試料またはコンパレータ組織試料から単離された全RNAを含むことができる。

10

【0098】

さらにまた、抽出されたRNAを増幅させて、対象とする癥痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現に関する情報を増やすことができる、増やしたmRNA試料を容易に作製することができる。mRNA集団の抽出および増幅のための適切な技術の例は公知であり、以下でさらに詳細に考察する。

【0099】

例として、本発明に使用するのに適した標的核酸を作製するための核酸の分離精製方法は、Laboratory Techniques in Biochemistry and Molecular Biology: Hybridization With Nucleic Acid Probes, Part I. Theory and Nucleic Acid Preparation, P. Tijssen, ed. Elsevier, N.Y. (1993) の第3章に詳細に説明されている。

20

【0100】

好ましい方法において、例えば、acid guanidium-phenol-chloroform抽出法を用いて、所定の試料から全核酸を単離することができる。

【0101】

遺伝子発現の調査および比較の前に標的核酸を増幅することが望ましい場合、試料が由来する対象とする癥痕または対照組織における増幅された核酸の相対頻度を維持または調節する方法を使用することが好ましい場合がある。

【0102】

“定量的”増幅の適切な方法は当業者に公知である。公知の例の1つとして、定量PCRは、コンパレータ試料と対象とする癥痕由来の試料の間で量が不変であることが知られている対照配列を同時に共増幅することを含む。これにより、PCR反応の較正に用いることができる内部標準が提供される。

30

【0103】

上記に概説した方法に加えて、遺伝子転写産物特異的産物の増幅とシグナルの生成とを結びつける任意の技術もまた、定量に適したものであることができることは当業者には明らかであろう。好ましい例には、mRNAのcDNAへの最初の逆転写を組み込むことにより特定のmRNA転写産物の正確な定量に適したものにした、ポリメラーゼ連鎖反応への便利な改善(US4683195および4683202)を用いるものがある。さらなる重要な改善には、反応の進行に従って、リアルタイムでPCR産物の蓄積の測定を可能にするものがある。蛍光共鳴エネルギー移動を用いて定量的遺伝子特異的シグナルを生成させる適切な技術の例は、Taqman(US5210015および5487972)、分子ビーコン(WO-95/13399)ならびにスコープオン(US2005/0164219)を含む。各遺伝子標的に対する異なる蛍光部分を用いることにより、複数の転写産物の並列定量が可能である。

40

【0104】

限定するものではないが、他の適切な増幅方法は、核酸配列ベース増幅(NASBA)(Saad F. UPM3: review of a new molecular diagnostic urine test for prostate cancer. Can J Urol. 2005 Feb;12 Suppl 1:40-3); ローリングサークル増幅(Rolling Circle Amplification)(RCA)(Gomez KF, Lane J, Cunnick G, Grimshaw D, Jiang WG, Mansel RE. From PCR to RCA: a surgical trainee's guide to the techniques of genetic amplificati

50

onm. Eur J Surg Oncol. 2002 Aug;28(5):554-9); 分岐鎖核酸(Branched Chain Nucleic Acids)(BCNA)(Andras SC, Power JB, Cocking EC, Davey MR. Strategies for signal amplification in nucleic acid detection. Mol Biotechnol. 2001 Sep;19(1):29-44); インベダーアッセイ(invader assay)(de Arruda M, Lyamichev VI, Eis PS, Iszczyszyn W, Kwiatkowski RW, Law SM, Olson MC, Rasmussen EB. Invader technology for DNA and RNA analysis: principles and applications. Expert Rev Mol Diagn. 2002 Sep;2(5):487-96); リガーゼ連鎖反応(LCR)(Wu and Wallace, Genomics, 4: 560 (1989), Landegren, et al., Science, 241: 1077 (1988)および Barringer, et al., Gene, 89: 117 (1990)、転写増幅(transcription amplification)(Kwoh, et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 86: 1173 (1989))ならびに自律的配列複製(self-sustained sequence replication)(Guatelli, et al., Proc. Nat. Acad. Sci. USA, 87: 1874 (1990))を含む。

10

#### 【0105】

特に好ましい実施形態において、対象とする癌痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を代表する組織由来のmRNA転写産物を逆転写酵素ならびにオリゴdTおよびファージT7プロモーターをコードする配列からなるプロモーターで逆転写して一本鎖DNA鋳型を得ることができる。DNAポリメラーゼを用いて第2DNA鎖を重合させる。二本鎖cDNAの合成後、T7RNAポリメラーゼを添加してcDNA鋳型からRNAを転写する。各一本鎖cDNA鋳型からの転写の連続ラウンドによりRNAの増幅がもたらされる。in vitro重合法は当業者に公知であり(例えば、上記のSambrookを参照のこと)、この具体的な方法はVan Gelder, et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 87: 1663-1667 (1990)に詳細に記載されており、この方法によるin vitro増幅は種々のRNA転写産物の相対頻度を保存していることが明らかにされている。さらに、Eberwine et al. Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 89: 3010-3014 (1992)は、in vitro転写による2ラウンドの増幅を用いて元の出発材料の106倍を超える増幅を達成し、それによって少量の対象とする癌痕の試料しか得られない場合であっても発現モニタリングを可能にするプロトコルを提供している。

20

#### 【0106】

前述の直接的転写法はアンチセンスRNA(aRNA)標的の産生をもたらすことは当業者には明らかであろう。このような場合、遺伝子発現の調査および比較に用いられるオリゴヌクレオチドプローブなどのプローブは、アンチセンス核酸の配列または部分配列に相補的なように選択される必要がある。

30

#### 【0107】

遺伝子発現の比較に人工核酸分子を用いることができることもまた当業者にさらに明らかであろう。本発明に使用するのに適した人工の標的分子の例は、mRNAの逆転写により作製されるcDNAまたは第2鎖cDNAもしくは二本鎖cDNA中間体から転写されるRNA(cRNA)を含む。cDNAおよびcRNAの産生方法は当該技術分野で文書による十分な裏づけがあり、当業者に公知であり、実際産生に適したこれらのキットおよび試薬は商業的に容易に入手できる。

#### 【0108】

本発明においては、対象とする癌痕における遺伝子発現を“代表する”試料は、対象とする癌痕における遺伝子の発現に関する情報を提供する任意の試料を含むと考えられるべきである。例えば、代表サンプルは対象とする癌痕において発現されるすべての遺伝子に関する情報を提供でき、好ましくは前記遺伝子の相対的発現レベルに関する情報を提供できる。

40

#### 【0109】

好ましい実施形態において、代表サンプルは、対象とする癌痕における発現がコンパレータと比較される遺伝子(単数または複数)のmRNA遺伝子転写産物の濃度に標的分子の濃度が比例するサンプルである。比例は比較的に厳密であることが好ましいが(例えば、対象とする癌痕において生じるmRNA遺伝子転写産物数を倍加することにより、試料に存在する対応する標的分子数の倍加がもたらされること)、比例はより緩やかで、非線形でさえあることもできることは当業者には明らかであろう。例えば、対象とする癌痕におけるmRNA遺伝子転写産物の濃度における5倍の差異が、代表サンプルにおける標的分子の濃度にお

50

ける3~6倍の差異をもたらすアッセイは、多くの場合十分である。

【0110】

より正確な定量が求められる場合、当業者に公知の方法に従って検量線を作成するために、“標準”標的分子の連続希釈液を使用することができる。標的分子の定量は、互いにおよび/またはケロイドを形成しない組織と比較してケロイドを形成する組織において発現レベルが増加していない“ハウスキーピング”遺伝子に対して相対的で正規化されていることがより好ましい。このような遺伝子の例は、exportin 7(XPO7)、切断・ポリアデニル化特異的4因子(Cleavage and Polyadenylation Specific Factor 4)、30kDa(CPSF4)、Fボックス唯一タンパク質7(F-box only protein 7)(FBX07)、ADPリボシル化因子1(ARF1)、シグナル配列受容体(SSR2)およびメチオニンtRNA合成酵素(MARS)を含む。

10

【0111】

もちろん、定性的試料(単数または複数)(遺伝子発現の存否の簡単な検出が望ましい場合)の場合は、このような手の込んだ対照またはキャリブレーションを必要としないことは明らかであろう。

【0112】

多くの場合、対象とする瘢痕またはコンパレータ試料において発現されるすべての遺伝子に関する情報を代表サンプルが提供するのが好ましいが、その代わりに、発現を受ける遺伝子の総数のサブセットのみの発現に関する情報を適切な代表サンプルは提供することもできる。

【0113】

多くの場合、関連する試料における標的分子(表1に示す遺伝子の1以上を代表する)の存在を示すことができるプローブ分子を用いて対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現の程度を評価することが好ましい。

20

【0114】

本発明による方法、キットまたはアッセイにおける標的分子およびプローブの使用により、本発明の方法に感度上昇をもたらすことができる。これにより、対象とする瘢痕における発現とコンパレータ試料における発現の間の本来なら小さな差異を識別する能力を高めることができる。このことは、本発明による診断に関する評価できる利点であろう。

【0115】

一般に、本発明に使用する適切なプローブはそれらの標的分子に結合し、それによって標的分子の検出を可能にする(この検出は、標的分子により代表される表1から選択された遺伝子の発現を示す)。

30

【0116】

本発明に使用するプローブが標的分子(プローブ分子と適切に組み合わせて)の複製を可能にすることが好ましい場合がある。このような複製により多数の標的分子が製造され、それにより標識プローブのさらなる結合が可能となる。次には、このように結合した標識プローブの量の増加が遺伝子発現を示す検出可能シグナルを増幅させる。

【0117】

本発明の方法およびキットに使用するプローブは、調査する遺伝子発現産物(直接または間接)を参照して選択することができる。適切なプローブの例は、オリゴヌクレオチドプローブ、抗体、アプタマーおよび、適切な特異性を有する結合タンパク質または小分子を含む。

40

【0118】

オリゴヌクレオチドプローブは、本発明の方法およびキットに使用するのに適した好ましいプローブを構成する。適切なオリゴヌクレオチドプローブの製造は当業者に公知である(Oligonucleotide synthesis: Methods and Applications, Piet Herdewijn (ed) Humana Press (2004).)。オリゴヌクレオチドおよび修飾オリゴヌクレオチドは多数の会社から市販されている。

【0119】

オリゴヌクレオチドは、長さが2~約500ヌクレオチド塩基の一本鎖核酸であり、好まし

50

くは長さが約5～約50ヌクレオチド、より好ましくは約10～約40ヌクレオチド、最も好ましくは約15～約40ヌクレオチドである。適切なハイブリダイゼーション法、状態、時間、液量およびオリゴヌクレオチドプローブのハイブリダイゼーションを検出できる適切な方法は、本明細書の他の部分で説明されている。

#### 【0120】

本発明においては、オリゴヌクレオチドプローブは、1以上の種類の化学結合により相補配列の標的核酸に特異的にハイブリダイズすることができるオリゴヌクレオチドを含むと理解することができる。このような結合は、通例、相補的塩基対形成によって生じ、通例、水素結合形成によって生じる。適切なオリゴヌクレオチドプローブは、天然塩基(すなわちA、G、CもしくはT)または修飾塩基(7-デアザグアノシン、イノシンなど)を含むことができる。加えて、ホスホジエステル結合以外の結合を、この変化がオリゴヌクレオチドプローブのその標的へのハイブリダイゼーションを妨害しない限り、オリゴヌクレオチドプローブ内の塩基に結合させることができる。従って、本発明の方法およびキットに使用するのに適したオリゴヌクレオチドプローブは、ホスホジエステル結合以外のペプチド結合により構成塩基が結合されているペプチド核酸であることができる。

#### 【0121】

本明細書において、用語“特異的にハイブリダイズする”は、複雑な混合物中に標的ヌクレオチド配列が存在する場合、ストリンジェントな条件下で、オリゴヌクレオチドプローブが特定の標的ヌクレオチド配列に特異的に結合、二本鎖形成またはハイブリダイズすることをいうために用いられる(例えば、全細胞DNAまたはRNA)。好ましくは、プローブは、特定の標的分子のみに結合、二本鎖形成またはハイブリダイズすることができる。

#### 【0122】

用語“ストリンジェントな条件”は、プローブが、その標的サブ配列にハイブリダイズするが、他の配列には最小限にハイブリダイズする条件のことをいう。好ましくは、ストリンジェントな条件下で、プローブは、その標的以外の配列にはハイブリダイズできない。ストリンジェントな条件は配列に依存し、異なる環境下では異なる。より長い配列は、より高い温度で特異的にハイブリダイズする。

#### 【0123】

一般に、ストリンジェントな条件は、明確にされたイオン強度およびpHで特異的配列の熱融点(T<sub>m</sub>)よりも約5℃低くなるように選択することができる。T<sub>m</sub>は、平衡時に、標的核酸に相補的なオリゴヌクレオチドプローブの50%が標的核酸にハイブリダイズする温度である(明確にされたイオン強度、pHおよび核酸濃度)。標的核酸は、一般に過剰に存在するため、T<sub>m</sub>では、平衡時ではプローブの50%がふさがれている。例として、ストリンジェントな条件には、pH7.0～8.3で塩濃度が少なくとも約0.01～1.0M Naイオン濃度(または他の塩)であり、短いプローブ(例えば、10～50ヌクレオチド)に対して温度が少なくとも約30℃である条件がある。ホルムアミドなどの不安定化剤の添加によっても、ストリンジェントな条件を達成することができる。

#### 【0124】

アンチセンス標的核酸(aRNA)と共に使用するのに適したプローブの設計および選択に関する考察については前記で述べた。標的核酸がセンス核酸を含む場合、適切なオリゴヌクレオチドプローブは、センス核酸の配列または部分配列に相補的であるように選択することができる。二本鎖である標的核酸の場合は、標的核酸がセンス鎖およびアンチセンス鎖の両方を提供するため、適切なプローブはいずれのセンスであることもできる。

#### 【0125】

本発明の方法またはキットに使用するのに適した抗体は、対象とする痕跡における遺伝子発現を表す、タンパク質などの標的分子を検出するために使用することができる。

#### 【0126】

本発明の方法およびキットに従って、遺伝子発現を調査するために使用できる抗体は、モノクローナル抗体およびポリクローナル抗体ばかりでなく、限定するものではないがFabまたはF(ab')<sub>2</sub>およびFvフラグメントを含むこれらの抗体のフラグメントをも含む。

## 【0127】

所定の標的に特異的に結合できる抗体の作成および/または同定に適した方法は当業者に公知である。一般に、免疫原として単離された標的を使用して適切な抗体を作成できる。この免疫原は、限定するものではないが、ラット、ウサギ、ヤギまたはマウスなどの哺乳動物に投与され、免疫反応の一部として抗体が誘発される。一般に、抗体は、遺伝子発現のタンパク質産物に結合させるための本発明の方法およびキットに関連して使用される。適切な免疫原は、調査される完全長タンパク質またはそれらの抗原ペプチドフラグメントを含むことができる。

## 【0128】

モノクローナル抗体は、特定のモノクローナル抗体を分泌することができる不死化細胞株であるハイブリドーマを用いて作成することができる。不死化細胞株は、2つの異なる細胞型(通例リンパ球であって、そのうちの1つが腫瘍細胞である)を融合させることにより、*in vitro*で作成することができる。

## 【0129】

アプタマーは、特定の配列に依存した形態をとり、アプタマーとリガンドの間の錠前と鍵の適合に基づいて特定の標的リガンドに結合する核酸分子のことをいう。一般的には、アプタマーは、一本鎖もしくは二本鎖DNA分子(ssDNAまたはdsDNA)または一本鎖RNA分子(sRNA)のいずれかを含むことができる。

## 【0130】

アプタマーは、核酸および非核酸標的のいずれにも結合させるために用いることができる。よって、アプタマーは、RNA、DNAおよび小分子またはタンパク質を含む遺伝子発現産物の調査に使用する適切なプローブである。好ましくは、アプタマーは、分子量100~10,000Daを有する遺伝子発現産物を調査するために使用することができる。ssDNAアプタマーは、DNAを含む遺伝子発現産物の調査に使用するのに好ましい場合がある。

## 【0131】

適切なアプタマーは、ランダム配列プールから選択することができ、これらから、選択された標的分子に高親和性で結合する特定のアプタマーを同定できる。望ましい特異性を有するアプタマーの製造および選択の方法は当業者に公知であり、SELEX(systematic evolution of ligand by exponential enrichment)法を含む。簡潔に言えば、オリゴヌクレオチドの巨大なライブラリーを作成し、*in vitro*選択の反復プロセスにより大量の機能的核酸を単離し、次いで、ポリメラーゼ連鎖反応により増幅させる。

## 【0132】

アプタマーは比較的安定な保存期限を有するため、本発明の方法およびキットによる遺伝子発現の調査のためのアプタマーの使用は有利な場合がある。本発明の方法および/またはキットに使用するのに適したアプタマーは、好ましくは、化学修飾(例えば2'-NH<sub>2</sub>および2'-F修飾)により安定化させることができる。

## 【0133】

フォトアプタマー(photoaptamer)は、チミジン(T)ヌクレオチドの代わりに少なくとも1つのプロモデオキシウリジン(BrdU)を含むアプタマーのサブクラスである。紫外線にさらされたとき、BrdUの存在により、フォトアプタマーがその標的リガンドと特定の共有結合性架橋を形成することが可能となる。架橋には、親和性に基づく結合および、BrdU(フォトアプタマーにおける特定の位置にある)とアミノ酸(標的リガンドにおける特定の位置にある)間の近接近の両方を必要とするため、遺伝子発現産物との高い特異性の結合を必要とする場合に、本発明の方法およびキットにフォトアプタマーを使用することが好ましい。

## 【0134】

本発明による、遺伝子発現を比較できる適切な方法は、前記の考察を考慮して選択することができる。

## 【0135】

一般に、調査する標的分子の性質に基づいて分析法を選択することができ、適切な選択

10

20

30

40

50

基準により、標的核酸と標的タンパク質分子を区別することができる。

【0136】

しかしながら、上記のように、一般に、標的核酸分子に結合できるオリゴヌクレオチドプローブを用いて遺伝子発現を調査し比較することが好ましい。

【0137】

適切な代表サンプルにおける相補的な核酸配列(すなわち標的核酸)を検出するためにオリゴヌクレオチドプローブを用いることができる。このような相補的結合は、特定の遺伝子の発現を検出し、それによって特定の遺伝子の発現を比較することを可能にするためにオリゴヌクレオチドを使用することができる大部分の技術の根拠を形成する。好ましい技術は、複数の遺伝子の発現の並列定量を可能にするが、本明細書に記載の定量的逆転写PCR技術などの、種の増幅および定量がリアルタイムで結合されている技術および、アレイ技術などの、増幅に続いて、増幅された種の定量を行う技術を含む。

10

【0138】

アレイ技術は対象とする痕跡またはコンパレータ試料における遺伝子発現を代表する試料の、各プローブが開示された遺伝子(単数または複数)に選択的にハイブリダイズする複数のオリゴヌクレオチドプローブを用いるハイブリダイゼーションを含む。アレイ技術は、例えばオリゴヌクレオチド配列の物理的位置(例えば、Affymetrix Inc.から市販されている二次元アレイにおけるグリッド)または他のフィーチャー(例えば、Illumina IncまたはLuminex Incにより市販されている標識ビーズ)との会合により、特定のオリゴヌクレオチド配列の一意的な同定を提供する。オリゴヌクレオチドアレイは、in situで合成することもできるし(例えば、Affymetrix Incにより市販されている光指向合成により)、前もって合成し、接触方式またはインクジェット方式によりスポットすることもできる(AgilentまたはApplied Biosystemsにより市販されている)。全部または一部のcDNA配列もまたアレイ技術のプローブに使用できることは当業者に明らかであろう(Clontechにより市販されている)。

20

【0139】

オリゴヌクレオチドプローブは、遺伝子発現を検出し比較する、サザンブロット法またはノーザンブロット法などのブロット法に使用できる(例えば、遺伝子発現を代表するcDNAまたはmRNA標的分子により)。サザンブロット法またはノーザンブロット法に使用するのに適した技術および試薬は当業者に公知である。簡潔に言えば、DNA(サザンブロット法の場合)またはRNA(ノーザンブロット法の場合)標的分子を含む試料は、アクリルアミドまたはアガロースなどの物質のゲルを浸透するそれらの能力に従って分離される。ゲルの浸透は、毛管作用または電場の活性により駆動されることができる。標的分子の分離が達成されたら、これらの分子は薄膜(一般的にはナイロンまたはニトロセルロース)に転写され、ついで膜に固定化される(例えば焼きつけまたは紫外線照射により)。ついで、膜に結合している標的分子へのオリゴヌクレオチドプローブのハイブリダイゼーションにより、遺伝子発現を検出し、比較することができる。ハイブリダイゼーションを行う適切な条件のさらなる詳細を以下に示す。これらは、ハイブリダイゼーションを検出できる技術の例である。

30

【0140】

特定の状況において、遺伝子発現を比較するための旧来のハイブリダイゼーションプロトコルの使用は疑問であることが明らかとなる場合がある。例えば、ブロット技術は、おおよそ同じ分子量の2以上の遺伝子産物を識別することは困難である。なぜなら、このような同様なサイズの産物はゲルを用いて分離することが困難であるからである。よって、このような状況において、下記に示したような代替技術を用いて遺伝子発現を比較することが好ましい場合がある。

40

【0141】

対象とする痕跡における遺伝子発現を代表する試料における遺伝子発現は、高密度オリゴヌクレオチドアレイ技術による適切な核酸試料内の全体の転写産物レベルを参照して評価できる。この技術は、例えば共有結合によりオリゴヌクレオチドプローブが固体担体に

50

つながれているアレイを使用する。固体担体に固定化されたこれらのオリゴヌクレオチドプローブアレイは、遺伝子発現の比較のための本発明の方法およびキットに用いられる好ましい構成要素を代表する。表1に示す遺伝子から選択される多数の遺伝子の発現の比較に適したアレイを提供するために、このように多数のこのようなプローブを結合させることができる。よって、診断を行うために、表1から選択された2以上の遺伝子の発現を比較することが望ましい場合、本発明の方法またはキットの実施形態において、このようなオリゴヌクレオチドアレイは特に好ましいことは明らかであろう。

#### 【0142】

好ましい実施形態において、オリゴヌクレオチドアレイを用いる遺伝子発現の調査は、低ストリンジェンシーでのオリゴヌクレオチドプローブと標的核酸とのハイブリダイゼーションに続いてより高いストリンジェンシーでの少なくとも1回の洗浄により行うことができる。これらの実施形態に使用するのに適した低ストリンジェンシー条件は、約20 ~ 約50 (より好ましくは約30 ~ 約40、最も好ましくは約37)の反応温度および6×SSP E-T緩衝液(またはそれ以下)を含むことができる。適切なハイブリダイゼーションプロトコルは、望ましいレベルのハイブリダイゼーション特異性が達成されるまでストリンジェンシーを漸増させ、それに続く洗浄を含むことができる。例えばNanogen Inc.により提供されている電気的手段によりハイブリダイゼーションストリンジェンシーを変化させることができる(Sosnowski R, Heller MJ, Tu E, Forster AH, Radtkey R. Active microelectronic array system for DNA hybridization, genotyping and pharmacogenomic applications. Psychiatr Genet. 2002 Dec;12(4):181-92)。

#### 【0143】

オリゴヌクレオチドプローブと標的核酸とのハイブリダイゼーションの検出のための適切な技術を、以下でさらに考察する。

#### 【0144】

アレイに組み込まれる選択されたオリゴヌクレオチドプローブの個性を変えて、発現が比較される遺伝子のより詳細な選択を可能にすることができる。例えば、本発明の方法またはキットに使用するのに適したアレイは、前記で考察した表1~28から選択された遺伝子の示差発現を参照して選択された1以上のオリゴヌクレオチドプローブを含むことができる。

#### 【0145】

また、対象とする癥痕またはコンパレータにおける遺伝子発現を代表する試料における核酸配列(例えばmRNAまたはDNA)のレベルに基づいた対象とする癥痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現の評価を、当業者に公知の他の適切な技術を用いて行うことができる。例えば、ノーザンブロット法は、対象とする癥痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を代表するmRNAレベルを評価できる感度のよい方法を提供する。

#### 【0146】

遺伝子発現を代表する標的核酸の比較に用いることができる他の適切な方法は、限定するものではないが、核酸配列ベース増幅(NASBA);ローリングサークルDNA増幅(RCA);分枝核酸およびインベーターアッセイ;アプタマー、抗体または抗体誘導体の使用を含む(Singh et al,1993;Boeckh and Boivin1998;Bloom and Dean, 2003; Jain, 2004; Millar and Moore, 2004; Olson, 2004; Yang and Rothman, 2004)。

#### 【0147】

前述のように、対象とする癥痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現は、もう1つの方法として、遺伝子発現を代表するタンパク質を含む試料を用いて調査することができる。遺伝子発現を評価するためにこのようなタンパク質試料を調査することができる適切な技術は、限定するものではないが、アプタマー検出;質量分析法;核磁気共鳴(NMR);抗体ベースの方法、例えばイムノPCRおよび多重アプローチ、例えばアレイ、ビーズもしくはマイクロスフェアを用いるもの(例えばLuminex IncからのxMap技術)、ELISA、RIAおよびウェスタンブロット法;ならびに当業者に公知の他の方法(Bloom and Dean (2003) Biomarkers in Clinical Drug Development; Crowther (1995) Elisa Theory and Practice (

Humana Press); Singh et al (1993) Diagnostics in the year 2000: Antibody, Biosensor and nucleic acid Technologies (Van Nostrand Reinhold, New York); Niemeyer CM, Adler M, Wacker R. Immuno-PCR: high sensitivity detection of proteins by nucleic acid amplification. Trends Biotechnol. 2005 Apr;23(4):208-16; Abreu I, Laroché P, Bastos A, Issert V, Cruz M, Nero P, Fonseca JE, Branco J, Machado Caetano J A. Multiplexed immunoassay for detection of rheumatoid factors by FIDISTM technology. Ann N Y Acad Sci. 2005 Jun;1050:357-63)を含む。

#### 【0148】

例えば、当該タンパク質の活性に基づくアッセイを用いて酵素活性を有するタンパク質の発現を調査し比較することができる。酵素タンパク質抽出物(対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現を代表する試料を構成する)を、例えば、適切に標識した基質の既知量を含む試料と共にインキュベートすることができる。酵素活性量、従って対象とする瘢痕またはコンパレータ試料における遺伝子発現レベルの徴候は、酵素により変換される基質の量によって測定できる。

#### 【0149】

プローブまたは標的分子の検出は、このような分子の検出可能部分への結合(すなわち物理的結合)により容易に行うことができる。あるいは、検出可能部分を組み込んだ適切なプローブまたは標的分子を合成することもできる。本発明の方法、キットまたはアレイに使用するのに適したプローブまたは標的分子における検出可能部分の結合または取り込みに使用できる技術を以下で考察する。

#### 【0150】

本発明に使用するのに適したプローブまたは標的の標識化に使用できる検出可能部分の例は、スペクトルの、光化学的、生化学的、免疫化学的、電気的、光学的または化学的手段により検出できる任意の組成物を含む。適切な検出可能部分は、種々の酵素、補欠分子族、蛍光物質、発光物質、生物発光物質、放射性物質および比色物質を含む。これらの検出可能部分は、特記しない限り、本発明の方法またはキットに使用できるすべてのタイプのプローブまたは標的への取り込みに適している。

#### 【0151】

適切な酵素の例は、西洋ワサビペルオキシダーゼ、アルカリホスファターゼ、 $\alpha$ -ガラクトシダーゼまたはアセチルコリンエステラーゼを含み;適切な補欠分子基複合体の例はストレプトアビジン/ビオチンおよびアビジン/ビオチンを含み;適切な蛍光物質の例は、ウンベリフェロン、フルオレセイン、フルオレセインイソチオシアナート、ローダミン、ジクロロトリアジニルアミンフルオレセイン、ダンシルクロリド、フィコエリスリン、テキサスレッド、ローダミン、緑色蛍光タンパク質などを含み;発光物質の例はルミノールを含み;生物発光物質の例はルシフェラーゼ、ルシフェリンおよびイクオリンを含み;適切な放射性物質の例は $^{125}\text{I}$ 、 $^{131}\text{I}$ 、 $^{35}\text{S}$ 、 $^3\text{H}$ 、 $^{14}\text{C}$ または $^{32}\text{P}$ を含み;適切な比色物質の例はコロイド金または有色ガラスもしくはプラスチック(例えば、ポリスチレン、ポリプロピレン、ラテックスなど)ビーズを含む。

#### 【0152】

これらの標識を検出する手段は当業者に公知である。例えば、放射性標識は写真フィルムまたはシンチレーションカウンターを用いて検出でき;蛍光マーカは放出光を検出するための光検出器を用いて検出できる。酵素ラベルは、一般的には、酵素に基質を供給し、基質に対する酵素の作用により生成される反応生成物を検出することにより検出され、比色標識は、単に着色標識を可視化することにより検出される。

#### 【0153】

本発明の好ましい実施形態において、蛍光標識プローブまたは標的は、レーザー共焦点スキャナを用いてスキャンし、蛍光を検出できる。

#### 【0154】

標識核酸プローブまたは標的の場合は、ハイブリダイゼーションの前、最中または後に適切な標識を行うことができる。好ましい実施形態において、本発明の方法またはキット

10

20

30

40

50

に使用する核酸プローブまたは標的は、ハイブリダイゼーションの前に標識される。蛍光標識は特に好ましく、使用される場合、核酸プローブへの標的核酸のハイブリダイゼーションの定量化は、ハイブリダイズした蛍光標識核酸からの蛍光の定量化による。より好ましくは、定量は核酸に組み込まれるハプテンに結合する蛍光標識試薬からのものであることができる。

【0155】

本発明の好ましい実施形態において、ハイブリダイゼーションの分析は、適切な分析ソフトウェア、例えばMicroarray Analysis Suite(Affymetrix Inc.)を用いて行うことができ、診断は分類ソフトウェア(例えばPartek Genomics Suite from Partek Inc)を使用して自動化することができる。

10

【0156】

アレイの自動スキャンを可能にする自動ステージを備えることができ、自動の測定、記録およびそれに続く蛍光強度情報の処理のためのデータ収集システムを備えることができる。このような自動化の適切な配置は確立されており、当業者に公知である。

【0157】

好ましい実施形態において、ハイブリダイズした核酸は、核酸に結合した1以上の検出可能部分を検出することにより検出される。当業者に公知の多くの手段のいずれかにより検出可能部分を組み込むことができる。しかしながら、好ましい実施形態において、試料核酸(プローブまたは標的)の調製における増幅行程中にこのような部分が同時に組み込まれる。従って、例えば、プライマーまたは検出可能部分を有するヌクレオチド標識を用いるポリメラーゼ連鎖反応(PCR)は前記部分を有する増幅産物標識を提供する。好ましい実施形態において、蛍光標識ヌクレオチド(例えばフルオレセイン-標識UTPおよび/またはCTP)を用いる転写増幅により、転写された核酸に標識が組み込まれる。

20

【0158】

また、元の核酸試料(例えば、対象とする癥痕由来のmRNA、ポリA mRNA、cDNAなど)または元の核酸の増幅完了後の増幅産物に適切な検出可能部分を直接に付加することができる。蛍光標識などの標識を核酸に結合させる手段は当業者に公知であり、例えばニックトランスレーションまたは、核酸をリン酸化し、それに続いて核酸リンカーを結合(連結反応)させて試料核酸を標識(たとえば適切なフルオロフォア)に結合させる末端標識(例えば標識RNAを用いて)を含む。

30

【0159】

前記のように、前述の方法およびキットに加えて、本発明はまた、対象とする癥痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断するためのキットであって、

i)対象とする癥痕における、表1に示す群から選択される少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に特異的に結合できる少なくとも1つのプローブ;および

ii)コンパレータ組織における前記少なくとも1つの遺伝子の発現レベルを示すことができる標準物質

を含む前記キットを提供する。

【0160】

40

好ましくは、本発明のこの側面によるキットは、アッセイが正しく行われたことを示すことができるアッセイ対照をさらに含むことができる。適切には、このようなアッセイ対照は、ケロイドとケロイドではない組織との間で発現が変化しない遺伝子の発現を示す標的分子を含むことができる。このようなハウスキーピング遺伝子の適切な例は、本明細書の他の部分で考察され、これらの遺伝子のいずれかの発現を代表する標的分子は本発明のキットに好都合に提供することができる。この種のハウスキーピング遺伝子を既知量を提供することにより、アッセイ結果の正規化に対する“標準”を与えることができる。

【0161】

本発明のキットが、ケロイド組織において発現が増加している1以上の遺伝子を代表する物質(例えば標的分子)をさらに含むことが好ましい場合がある。このような遺伝子の提

50

供により、投入原料の絶対量の変化または任意のアッセイ法の効率の変化から生物学的に有意な結果を識別する能力を高めることができる。例えば、リジルオキシダーゼは、ケロイドではない組織と比較してケロイド組織において3倍高い発現を示す。リジルオキシダーゼはコラーゲン架橋に関与する重要な酵素であり、線維組織において強く発現されていることが以前に示されている。

#### 【0162】

本発明のキットは、対象とする瘢痕における(またはコンパレータ組織における)遺伝子発現を代表する標的分子の集団の製造原料をさらに含むことができる。このような物質は、標的核酸分子の集団の製造に適切であることができる。あるいは、このような物質は標的タンパク質分子の集団の製造に適切であることができる。対象とする瘢痕またはコンパレータ組織における遺伝子発現を代表する標識標的分子の集団の製造原料をキットが含むことが好ましい場合がある。

10

#### 【0163】

本発明のキットが対象とする瘢痕における表1に示す群から選択された前記少なくとも1つの遺伝子の発現レベルが、対象とする瘢痕がケロイド組織であることの診断を示すことができるアルゴリズムまたは参照データ/物質をさらに含むことができることもまた好ましい。

#### 【0164】

アルゴリズムは、表1に示す群から選択された前記少なくとも1つの遺伝子の遺伝子発現における、コンパレータデータと対象とする瘢痕からのデータ(例えば既知の患者データ)との差異の数学モデルの形で提供できる。ついで、この数学モデルを、新規な患者試料からの、表1に示す群から選択された前記少なくとも1つの遺伝子の遺伝子発現データに展開することができる。こうして、このように作成されたアウトプットにより、対象とする瘢痕がケロイド組織を含むかケロイドではない組織を含むかに関する診断が得られる。

20

#### 【0165】

本発明のこの第2の側面によるキットに含まれるプローブを、本発明の第1の側面と同じ基準を用いて選択することができる。オリゴヌクレオチドプローブ、抗体、アプタマーおよび特異的結合タンパク質を含む群から適切なプローブを選択することができる。

#### 【0166】

本発明によるキットは、好ましくは、表1に示す群から選択された5つまでの遺伝子の発現を代表する標的分子(すなわち表1から選択された5つまでの遺伝子の発現を代表する標的分子)に特異的に結合できるプローブを含むことができる。本発明のキットが、5、6、7、8、9または10のこのような標的分子に結合できるプローブを含むことが特に好ましい。表1に示す遺伝子から選択された20までの、または50までの遺伝子に結合できるプローブをキットは含むことができる。100、200、300、400または500までのこのような標的分子に結合できるプローブを適切なキットは含むことができる。実際、本発明のキットは、500以上の標的分子に特異的に結合できるプローブを含むことができ、表1に示す遺伝子の590全部の発現を代表する標的に特異的に結合できるプローブを含むことさえできる。

30

#### 【0167】

本発明のキットは、表1から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に結合できるプローブおよび/または表2から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に結合できるプローブおよび/または表3から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に結合できるプローブおよび/または表8から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に結合できるプローブおよび/または表13から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に結合できるプローブおよび/または表17から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に結合できるプローブおよび/または表20から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に結合できるプローブおよび/または表22から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に結合できるプローブおよび/または表24から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に結合できるプローブおよび/ま

40

50

たは表26から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的分子に結合できるプローブを含む。

【0168】

本発明のキットは、表2~28のいずれか1つ(またはその任意の組み合わせ)を代表する任意の遺伝子の遺伝子発現を代表するの標的分子に結合できるプローブを含むことができる。

【0169】

本発明のキットで提供されるプローブは、好ましくは標識プローブであることができる。標識プローブは、本発明の第1の側面に関連して考察した任意の検出可能部分を含むことができる。好ましい標識プローブは、ハプテン、蛍光標識プローブ、放射性標識プローブおよび酵素標識プローブを含む群から選択することができる。

10

【0170】

本発明のキットで提供される標準物質は、表1に示す遺伝子群から選択される1以上の遺伝子の適切なコンパレータ試料における発現を代表する標的核酸のライブラリーを含むことができる。

【0171】

好ましい実施形態において、標準物質は、ケロイドおよびケロイドではない組織における表1に示す遺伝子群から選択される1以上の遺伝子の発現レベルに関する記録された情報を含むことができる。

20

【0172】

最も好ましい例において、表1に示す遺伝子群から選択される1以上の遺伝子の発現レベルに基づいて診断を行うことができるアルゴリズムを作成するために参照データを使用することができる。

【0173】

本発明のキットにより提供されるオリゴヌクレオチドプローブは、好ましくは、本明細書の他の部分で考察されたオリゴヌクレオチドアレイの形で提供することができる。

【0174】

対象とする瘢痕がケロイド組織であるかケロイドではない組織であるかに関する本発明による診断を行う上でオリゴヌクレオチドアレイの使用が特に有用であることが、今までのページから明らかであろう。

30

【0175】

よって、本発明の第3の側面において、アレイに存在するオリゴヌクレオチドプローブの少なくとも7.0%が表1に示す遺伝子群から選択される遺伝子を代表することを特徴とするオリゴヌクレオチドプローブアレイが提供される。

【0176】

本発明はまた、表1に示す遺伝子群の1以上の発現を代表する分子に特異的に結合できる固定化抗体プローブを含むアレイを提供する。さらにまた、本発明は、表1に示す遺伝子群から選択される遺伝子を代表する核酸プローブが付着したナイロン支持体を含むアレイも提供する。核酸プローブは、好ましくはcDNA分子であることができる。

【0177】

平面のアレイ表面が好ましいが、事実上任意の形状の表面上あるいは複合的な表面上でさえもアレイを作成することができる。さらなる例において、各ビーズが既知の核酸配列をディスプレイするアドレス可能なビーズのライブラリーの表面上に適切なアレイを作成することができる。また、ナイロン支持体、一般的には編まれたまたは編まれていないナイロン膜の表面上に適切なアレイを作成できる。

40

【0178】

本発明のアレイは多数の表1に示す遺伝子の発現を同時に比較する(実際、このような遺伝子の同時発現を比較する)ために使用でき、これにより労力・費用・時間を抑制する顕著な利点をもたらされることは明らかであろう。さらにまた、複数の遺伝子の発現レベルの比較により、本発明により行うことができる診断に大きな信頼が与えられる。

50

## 【0179】

本発明のアレイは、表1に示す群から選択された遺伝子に特異的な5つまでのプローブを含むことができる。好ましくは、アレイは、表1に示す群から選択された遺伝子に特異的な5、6、7、8、9または10のプローブを含むことができる。アレイは、表1に示す群から選択された20までの、または50までの遺伝子に特異的なプローブを含むことができる。適切なアレイは、表1に示す群から選択された100までの、200までの、300までの、400までのまたは500までのプローブの特定の遺伝子を含むことができる。実際、適切なアレイは、表1に示す遺伝子の500以上に特異的なプローブを含むことができ、表1に示す遺伝子590のすべてに特異的なプローブを含むことさえできる。プローブのそれぞれは、異なる選択された遺伝子に特異的であるべきであり、各プローブの2以上のコピーを提供できることは明らかであろう。

10

## 【0180】

本発明のアレイは、表2に示す群から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的に結合できるプローブおよび/または表3に示す群から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的に結合できるプローブおよび/または表8に示す群から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的に結合できるプローブおよび/または表13に示す群から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的に結合できるプローブおよび/または表17に示す群から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的に結合できるプローブおよび/または表20に示す群から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的に結合できるプローブおよび/または表22に示す群から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的に結合できるプローブおよび/または表24に示す群から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的に結合できるプローブおよび/または表26に示す群から選択された少なくとも1つの遺伝子の発現を代表する標的に結合できるプローブを含むことができる。

20

## 【0181】

本発明のアレイは、表1~28のいずれか1つまたはその任意の組み合わせから選択された1以上の遺伝子の発現を代表する標的に結合できるプローブを含むことができる。

## 【0182】

本発明のアレイは、ケロイド組織において発現が増加している1以上の遺伝子をさらに含むことが好ましい。このような遺伝子の提供により、投入原料の絶対量の変化または任意のアッセイ法の効率の変化から生物学的に有意な結果を識別する能力を高めることができる。例えば、リジルオキシダーゼは、ケロイドではない組織と比較してケロイド組織において3倍高い発現を示す。リジルオキシダーゼはコラーゲン架橋に關与する重要な酵素であり、線維組織において強く発現されていることが以前に示されている。

30

## 【0183】

任意のアッセイの有効性を評価できる対照を提供するために、本発明の方法、キットおよびアレイは1以上の“ハウスキーピング遺伝子”を使用することができる。本発明のキット中にまたは本発明のアレイ上にこれらのハウスキーピング遺伝子を提供することができる。適切なハウスキーピング遺伝子は、ケロイドとケロイドではない組織との間で不変であるか、あるいはケロイド形成に関連を有さない遺伝子である。ケロイドおよびケロイドではない(コンパレータ)生検試料の両方において不変の発現を示す遺伝子の例は、expor tin 7 (XP07)、切断・ポリアデニル化特異的第4因子(Cleavage and Polyadenylation Specific Factor 4)、30kDa(CPSF4)、Fボックス唯一タンパク質7(F-box only protein 7) (FBX07)、ADPリボシル化因子1(ARF1)、シグナル配列受容体(SSR2)およびメチオニンtRNA合成酵素(MARS)を含む。

40

## 【0184】

本発明によるオリゴヌクレオチドアレイは、当該技術分野で公知の任意の適切な技術により合成することができる。このようなアレイの合成に使用できる好ましい技術は、光指向性超大規模固定化ポリマー合成法(VLSIPS)であり、これは多くの出版物において以前に記載されている(Lipshutz RJ, Fodor SP, Gingeras TR, Lockhart DJ. High density syn

50

thetic oligonucleotide arrays. Nat Genet. 1999 Jan;21(1 Suppl):20-4; Jacobs JW, Fodor SP. Combinatorial chemistry--applications of light-directed chemical synthesis. Trends Biotechnol. 1994 Jan;12(1):19-26)。

#### 【0185】

本発明によるオリゴヌクレオチドアレイによりハイブリダイゼーションの比較が可能になり、それによって大変少ない液量で遺伝子発現を行うことができる(例えば250  $\mu$ l以下、より好ましくは100  $\mu$ l以下、最も好ましくは10  $\mu$ l以下)。このことは多くの利点を与える。少ない容量においては、ハイブリダイゼーションは大変迅速に進行する。加えて、ハイブリダイゼーション条件は試料中で極めて均一であり、ハイブリダイゼーションフォーマットは自動処理を受け入れやすい。

10

#### 【0186】

本発明による診断(本発明の方法、キットまたはアレイのいずれを使用しても)は、ケロイド癬痕を緩和または治療するために用いる処置の有効性を評価するのに有用であることができることは当業者には明らかであろう。処置が有益な効果を生むケロイドは、表1~28のいずれかに示す遺伝子に関して観察される発現の低下を緩和するその能力により特定できる。

#### 【0187】

処置されたケロイド内の、表1から選択された1以上の遺伝子の発現を、正常皮膚コンパレータに見られる前記遺伝子(単数または複数)の発現により類似させる処置は、処置されるケロイドに有益な効果を示すとみなすべきである。処置されたケロイドにおける発現が正常皮膚コンパレータに見られる発現により類似していない場合、処置は、当該ケロイド癬痕に有益でないといふことができる。このような場合、代替処置戦略を適用し、場合により続いて、同様に代替戦略の効果を評価することが望まれる。

20

#### 【0188】

表の説明

本発明により発現が調査できる遺伝子を付表に示す。これらの表は、各遺伝子に関して、遺伝子番号;公開識別子およびデータソース(これらにより、当業者は当該遺伝子を識別でき、その配列に関する情報をさらに入手することができる);遺伝子名;プローブID(当該遺伝子の発現を調査するために使用できる少なくとも1つのプローブの詳細を示す);当該遺伝子の発現の比較に使用できる組織の詳細;ならびに実験結果セクションに記載されているように行った比較により得た発現における倍率変化およびP値の詳細を提供する。

30

#### 【0189】

表1:ケロイド癬痕を診断するための遺伝子。すべての遺伝子は高度に統計的に有意であり、p値は0.01未満である。

#### 【0190】

表2:対象とする癬痕の病変周囲試料がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断するのに使用できる遺伝子。

#### 【0191】

表3:対象とする癬痕からの病変周囲試料と正常皮膚コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。

40

#### 【0192】

表4:対象とする癬痕からの病変周囲試料と正常皮膚コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0006928)に基づく細胞運動機能を有するタンパク質をコードする。

#### 【0193】

表5:対象とする癬痕からの病変周囲試料と正常皮膚コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0007155)に基

50

づく細胞接着機能を有するタンパク質をコードする。

【0194】

表6:対象とする癬痕からの病変周囲試料と正常皮膚コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0006954)に基づく炎症機能を有するタンパク質をコードする。

【0195】

表7:対象とする癬痕からの病変周囲試料と正常皮膚コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0001525)に基づく血管新生機能を有するタンパク質をコードする。

10

【0196】

表8:対象とする癬痕からの病変周囲試料とケロイド外コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。

【0197】

表9:対象とする癬痕からの病変周囲試料とケロイド外コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0006928)に基づく細胞運動機能を有するタンパク質をコードする。

20

【0198】

表10:対象とする癬痕からの病変周囲試料とケロイド外コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0007155)に基づく細胞接着機能を有するタンパク質をコードする。

【0199】

表11:対象とする癬痕からの病変周囲試料とケロイド外コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0006954)に基づく炎症機能を有するタンパク質をコードする。

30

【0200】

表12:対象とする癬痕からの病変周囲試料とケロイド外コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0001525)に基づく血管新生機能を有するタンパク質をコードする。

【0201】

表13:対象とする癬痕からの病変周囲試料とケロイド周囲コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。

【0202】

40

表14:対象とする癬痕からの病変周囲試料とケロイド周囲コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0007155)に基づく細胞接着機能を有するタンパク質をコードする。

【0203】

表15:対象とする癬痕からの病変周囲試料とケロイド周囲コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0006954)に基づく炎症機能を有するタンパク質をコードする。

【0204】

50

表16:対象とする癬痕からの病変周囲試料とケロイド周囲コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0001525)に基づく血管新生機能を有するタンパク質をコードする。

【0205】

表17:対象とする癬痕からの病変周囲試料とケロイド内コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。

【0206】

表18:対象とする癬痕からの病変周囲試料とケロイド内コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0006928)に基づく細胞運動機能を有するタンパク質をコードする。

【0207】

表19:対象とする癬痕からの病変周囲試料とケロイド内コンパレータとの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0006954)に基づく炎症機能を有するタンパク質をコードする。

【0208】

表20:対象とする癬痕の病変内試料がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断するのに使用できる遺伝子。

【0209】

表21:対象とする癬痕からの病変内試料と正常皮膚コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。

【0210】

表22:対象とする癬痕からの病変内試料とケロイド外コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。

【0211】

表23:対象とする癬痕からの病変内試料とケロイド外コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0006928)に基づく細胞運動機能を有するタンパク質をコードする。

【0212】

表24:対象とする癬痕からの病変内試料とケロイド周囲コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。

【0213】

表25:対象とする癬痕からの病変内試料とケロイド周囲コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0007155)に基づく細胞接着機能を有するタンパク質をコードする。

【0214】

表26:対象とする癬痕からの病変内試料とケロイド内コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断することができる遺伝子。

【0215】

表27:対象とする癬痕からの病変内試料とケロイド内コンパレータの間で発現を比較して、対象とする癬痕がケロイド癬痕であるかケロイドではない癬痕であるかを診断するこ

10

20

30

40

50

とができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0006954)に基づく炎症機能を有するタンパク質をコードする。

【0216】

表28:対象とする瘢痕からの病変内試料とケロイド内コンパレータの間で発現を比較して、対象とする瘢痕がケロイド瘢痕であるかケロイドではない瘢痕であることを診断することができる遺伝子。この表に見られる遺伝子は、遺伝子オントロジー分類(GO:0001525)に基づく血管新生機能を有するタンパク質をコードする。

【0217】

ここで、以下の実験結果を参照して本発明をさらに詳しく説明する。

【実施例】

【0218】

実験結果

対象とする瘢痕がケロイドであるかケロイドではないかを診断するために使用する表1に示す遺伝子の適合性を以下の研究で例証する。この研究において、既知のケロイド組織および適切に適合させたコンパレータ組織から採取した試料間で表1に示す遺伝子の発現を比較した。

【0219】

1.1ケロイド組織の診断

本研究に使用するために、少なくとも1年間ケロイドを発症していたアフリカ大陸系集団の患者20名からケロイド試料の提供を受けた。完全な病歴が確認できるケロイドのみを採用した。瘢痕の年数、瘢痕歴の十分な見直しおよび臨床医による検査により、瘢痕がケロイドであって、肥厚性瘢痕ではないことが正しく診断されたことを確認した。

【0220】

本明細書に記載の研究に使用するために、ケロイド形成歴のないアフリカ大陸系集団の被験者から対照コンパレータ組織(“正常コンパレータ”)の提供を受けた。

【0221】

1.2組織採取

ケロイド端部と直角に楕円体切除を用いてケロイドの試料を採取し、得られた生検材料を切断して、ケロイド病変を取り囲む皮膚(ケロイド外組織)、ケロイド病変の周辺部(病変周囲組織)またはケロイド病変の内部(病変内組織)を含む試料を得た。これらの組織は厳密に診断されたケロイド試料から選択されているため、表1に示す遺伝子の診断能を試験するための適切な実験試料が提供される。

【0222】

これらの手順で採取したケロイド外組織は、以下の研究に使用するコンパレータ組織(ケロイド外コンパレータ)として用いた。ケロイド非形成者からの皮膚組織もまた同様に生検を実施して関連するケロイドではないコンパレータ組織を得た。

【0223】

採取後に、RNA Later溶液(Ambion)に生検切片を浸し、後の遺伝子発現分析まで-80 で保存した。

【0224】

1.3組織における遺伝子発現を代表する試料の調製

ケロイド形成者からの病変周囲、病変内および病変外試料と、ケロイド非形成者からの皮膚試料を、Qiagen(商標)溶解緩衝液の存在下でDiaz(G-10)ホモジナイザーを用いて粉砕し、ついで、生成した溶解物をプロテインアーゼKと共に55 で20分間インキュベートした。

【0225】

インキュベーションに続いて混合物を遠心分離で分離し、存在するRNAをRNeasy midi spinカラム(Qiagen Ltd)を用いて精製した。

【0226】

1.4標的核酸の産生

10

20

30

40

50

Superscript System(Invitrogen Corp.)を用いるcDNA合成のために、全RNA 10 µgを基質として用いた。ついで、BioArray RNA転写産物標識キット(Enzo Life Sciences Inc.)を用いて、得られたcDNAをビオチン化cRNA標的分子に変換した。続いて、RNeasy miniキット(Qiagen Ltd)を用いて反応混合物からcRNA標的分子を精製した。アレイハイブリダイゼーションのために、cRNA 20 µgを断片化した。

【0227】

#### 1.5 遺伝子発現の比較

断片化した、病変周囲および病変内ケロイド組織ならびにケロイド外およびケロイドではないコンパレータ組織における遺伝子発現を代表するcRNA標的分子を、表1に示す遺伝子を代表するオリゴヌクレオチドプローブを含むオリゴヌクレオチドアレイにハイブリダイズさせた。ハイブリダイゼーションを行うためにAffymetrix標準プロトコル(Affymetrix Inc)を用いた。ハイブリダイズしたアレイをストレプトアビジン-フィコエリスリンで染色し、ついで蛍光強度を生じさせるためにレーザー共焦点スキャナを用いてスキャンした。

10

【0228】

すべてのアレイを目標輝度値1000に正規化し、Microarray Analysis Suite version5.0ソフトウェアを用いて信号値および検出P値を算出した。コンパレータ組織における発現と発現を比較するために、品質管理を合格したデータセットをSpotfire analysis suiteにインポートした。

20

【0229】

信号値をlog2スケールに変換し、log2変換データに関して、ケロイドを代表する試料における遺伝子発現とコンパレータにおける発現を比較するt検定を行った。各試料群に対して平均信号値を算出し、これらの平均値から倍率変化を算出した。

【0230】

#### 1.6 結果

ケロイド組織(病変周囲および病変内組織)における表1に示す遺伝子の発現とコンパレータ組織における同じ遺伝子の発現とを比較するt検定は、すべて、0.01未満のt検定P値を示した。このことにより、表1に示す遺伝子の発現のそれぞれすべてが、コンパレータとは対照的にケロイド組織において高度に顕著に低下していることが確認される。

30

【0231】

対象とする瘢痕からの試料における表1に示す群からの1以上の遺伝子の発現が、コンパレータ試料における同じ遺伝子(単数または複数)の発現と比較して低下していることが、対象とする瘢痕がケロイド組織であることの明確な診断を提供することをこれらの結果は明確に示している。

【0232】

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
1	4250	Entrez Gene	セクレトグロビン、ファミリー-2A、メンバー2	36328_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.009	7.1701E-04
				36329_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.017	3.3179E-04
				36329_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.021	2.8985E-03
				36329_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.023	2.7212E-03
				36329_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.131	2.0793E-03
2	5304	Entrez Gene	プロラクチン誘導タンパク質	41094_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.032	5.1676E-04
				41094_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.076	9.5561E-03
				41094_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.094	1.9791E-04
				32880_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.033	4.4000E-05
3	10547	Entrez Gene	セクレトグロビン、ファミリー-2D、メンバー2	32880_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.065	7.5456E-03
				32880_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.075	8.2511E-04
				32880_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.102	5.4085E-03
				32880_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.211	2.5582E-03
				325_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.038	6.4653E-03
4	HG1763-HT178	The Institute for Genomic Research	...	325_s_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.060	1.7598E-03
				325_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.073	2.6304E-04
				325_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.091	6.8631E-04
				38430_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.053	1.3371E-03
5	2167	Entrez Gene	脂肪細胞型脂肪酸結合タンパク質4	38430_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.075	4.2884E-03
				38430_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.219	8.7014E-03
				35721_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.082	4.4497E-03
6	3283	Entrez Gene	ヒドロキシΔ5-ステロイド脱水素酵素、3β-およびステロイドアルタインマゼ1	33272_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.069	5.8147E-03
				33272_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.117	4.3324E-03
				32190_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.081	5.6361E-04
7	6288	Entrez Gene	血清アミロイドA1	32190_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.201	7.6424E-03
				32190_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.365	8.5757E-03
8	9415	Entrez Gene	脂肪酸不飽和化酵素2	37430_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.096	4.5492E-03
				34190_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.129	1.6089E-03
9	247	Entrez Gene	アラキドン酸15-リポキシゲナーゼ、2型	34190_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.129	1.6089E-03
				34190_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.129	1.6089E-03
10	1690	Entrez Gene	凝固因子Cホモログ、コチリ(Limulus polyphemus)	34190_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.129	1.6089E-03
				34190_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.129	1.6089E-03

【 0 2 3 3 】

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトコル ID	比較	倍率変化	P値
11	553168	Entrez Gene	第1染色体オープンリーディングフレーム68	31326_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.138	7.6909E-03
				31326_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.214	6.7718E-03
				31326_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.229	1.6500E-05
				31326_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.288	7.6740E-03
				31326_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.487	3.0725E-03
12	HG371-H72638	The Institute for Genomic Research	...	700_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.143	4.4849E-03
13	125	Entrez Gene	アルコルデヒド脱ゲナーゼ1B(クラス)、βポリヘプタ	35730_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.162	9.2302E-03
				35730_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.252	5.3255E-03
14	3205	Entrez Gene	ホオボックスA9	37809_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.180	5.0202E-03
				37809_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.237	8.7426E-03
15	7136	Entrez Gene	トロポニン2型(運動型)	37809_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.314	9.1891E-03
				38457_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.185	5.1425E-04
16	L08190	GenBank	ホモ・サピエンス(ヒト)のPlacentaCot25均一化の完全長cDNAクローニングCS0D1027YJ05	37635_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.206	2.8404E-03
17	6210	Entrez Gene	リボソームタンパク質S15a	34316_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.241	3.8100E-05
				34316_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.432	2.3230E-04
				34316_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.476	1.6785E-04
18	7123	Entrez Gene	C型レクチンドメインファミリー3、メンバーB	35569_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.243	7.7786E-03
				35569_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.356	1.8400E-05
				35569_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.428	5.8746E-04
19	10351	Entrez Gene	ATP結合カセット、サブファミリーA(ABC1)、メンバーB	35717_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.279	3.1166E-03
				35717_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.305	5.8783E-04
20	AB011538	GenBank	CDNAクローニングIMAGE:5922621	35324_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.280	3.8006E-03
				35324_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.417	1.3446E-04
				35324_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.623	4.2479E-03
21	3131	Entrez Gene	肝白血因子	38627_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.289	1.1838E-03
				38627_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.325	6.7101E-03
				38627_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.556	5.7849E-03
22	M57951	GenBank	UDPグルクロン酸転移酵素177ミル、ホヘフチA10///UDPグルクロン酸転移酵素177ミル、ホヘフチA8///UDPグルクロン酸転	32382_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.320	3.1014E-03

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロト ID	比較	倍率変化	P 値
23	4211	Entrez Gene	Meis1, 骨髄性エリトロポエチン誘発性造血祖細胞増殖因子1 (マウス)	40763_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.324	4.5206E-03
24	2053	Entrez Gene	細胞質エホキント加水分解酵素2	41473_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.327	3.5922E-03
25	4253	Entrez Gene	CTAGE7ファミリー、タンパク質	41473_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.521	6.6949E-03
26	5271	Entrez Gene	セルリンペプチダーゼ阻害剤、クレトB(オホアルブミン)、タンパク質	41615_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.330	3.8948E-03
27	3119	Entrez Gene	主要組織適合性複合体、クラスII, DQβ1	36312_at	Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.331	4.7432E-04
28	10781	Entrez Gene	シグナルタンパク質266	36312_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.482	4.6083E-03
29	4128	Entrez Gene	モノシ酸化酵素A	36878_at	Day 0 Intra/ Day 0 Control	0.350	9.9683E-03
30	3885	Entrez Gene	ケラチン、毛髪、酸性、4	41621_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.350	5.4116E-04
31	8483	Entrez Gene	軟骨中間層タンパク質、スクレオチン、ロホスホリラゼ	41772_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.351	3.2109E-03
32	11075	Entrez Gene	スタシ様2	41771_g_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.464	2.4030E-03
33	3075	Entrez Gene	補体因子H	41772_at	Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.614	6.2007E-03
34	10458	Entrez Gene	BAL結合タンパク質2	34012_at	Day 0 Intra/ Day 0 Peri	0.352	4.5580E-03
35	9086	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子1A, Y連鎖	34885_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.354	4.8214E-04
36	2273	Entrez Gene	41/2LIMドメイン	34985_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.381	2.9109E-03
37	23016	Entrez Gene	エキソーム成分7	38800_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.356	5.6882E-03
				32250_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.356	2.4648E-03
				37761_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.358	3.2922E-04
				37760_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.799	8.1747E-03
				40097_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.358	6.6154E-03
				32542_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.367	5.7500E-03
				32542_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.598	1.0604E-03
				32542_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.643	1.4304E-03
				33284_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.369	2.9368E-04
				33294_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.453	3.7416E-04

【 0 2 3 5 】

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
38	23352	Entrez Gene	網膜芽細胞腫関連因子600	33850_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.369	5.2550E-04
				33850_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.374	1.4026E-03
				33850_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.452	4.0374E-03
				33850_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.549	6.8632E-03
				33850_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.579	3.5353E-03
39	7138	Entrez Gene	トロポニンT2型(運筋型)	36113_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.371	6.4628E-03
				36113_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.452	4.3070E-03
				40398_s_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.376	7.2046E-03
40	4223	Entrez Gene	間葉細胞ホウキ状細胞(成長停止特異的ホウキ状細胞)				
41	3400	Entrez Gene	DNA結合阻害因子4,トミナントカチオンヘリックス・ループ・ヘリックスタンパク質	41536_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.381	8.0900E-05
				41536_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.410	2.1354E-03
				41536_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.488	2.0560E-03
42	10521	Entrez Gene	DEAD(Asp-Glu-Ala-Asp)ホウキ状細胞ヘリックスタンパク質17	35363_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.383	2.2472E-03
				35363_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.577	6.8649E-03
				35577_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.385	4.8105E-04
43	8710	Entrez Gene	セルビシン・ベンゾチアゼ阻害剤、クレトB(オホアルブミン)、マンハチ	35577_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.489	6.7433E-03
				35577_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.566	9.3574E-03
				38429_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.386	9.3714E-03
44	2194	Entrez Gene	脂肪酸シタゼ	38429_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.512	8.4627E-03
				873_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.387	6.1920E-03
				677_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.389	2.8442E-04
45	3202	Entrez Gene	ホウキ状細胞酸性ホウキ状タンパク質5	677_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.672	8.0184E-03
				36896_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.391	9.1974E-03
				40775_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.392	3.3491E-03
46	54	Entrez Gene	アシル炭化水素受容体核内輸送体様	40775_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.400	2.0273E-03
				33007_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.394	7.4079E-03
				33007_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.456	7.7206E-03
47	406	Entrez Gene	内在性膜タンパク質2A	37195_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.399	5.5226E-03
48	9452	Entrez Gene	肝細胞癌抗原遺伝子520				
49	63928	Entrez Gene	セルビシン・ベンゾチアゼ阻害剤、クレトB(オホアルブミン)、マンハチ				
50	5055	Entrez Gene	セルビシン・ベンゾチアゼ阻害剤、クレトB(オホアルブミン)、マンハチ				

【 0 2 3 6 】

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロファイル	比較	倍率変化	P値
51	5354	Entrez Gene	プロテオリビトタンパク質1(ペリツェウス・メルツバツヘル病、 癌性対麻痺2型、単純性)	41158_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.403	1.1357E-04
52	642	Entrez Gene	プロイソシ加水分解酵素	41158_at 41158_at 41158_at 394_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra Day 0 Peri/ Day 0 Control Day 3 Peri/ Day 0 Peri Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.503 0.544 0.715 0.404	1.7500E-03 4.8737E-03 7.5707E-03 6.8138E-03
53	10443	Entrez Gene	仮想遺伝子CG012	1532_g_at 1532_g_at 1532_g_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control Day 3 Peri/ Day 3 Control Day 0 Peri/ Day 0 Intra	0.406 0.567 0.660	9.9594E-04 4.1852E-03 5.2680E-03
54	224	Entrez Gene	アルデヒド脱水素酵素37ファミリー、メンバ-A2	40409_at 40409_at 40409_at	Day 3 Intra/ Day 3 Control Day 3 Peri/ Day 3 Control Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.410 0.445 0.456	5.0007E-03 7.4233E-03 8.5087E-04
55	90634	Entrez Gene	仮想遺伝子CG018	1527_s_at 34239_at 1527_s_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control Day 3 Intra/ Day 3 Control Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.410 0.472 0.515	2.0450E-03 5.9625E-03 2.5140E-03
56	1675	Entrez Gene	補体因子D(アジピン)	40282_s_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.410	3.2238E-03
57	23242	Entrez Gene	コルトン・ブルネモログ(マウス)	35669_at 35669_at 35669_at 35669_at 35669_at 31610_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra Day 3 Intra/ Day 3 Control Day 3 Intra/ Day 3 Extra Day 7 Peri/ Day 0 Peri Day 3 Peri/ Day 0 Peri Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.414 0.417 0.522 0.543 0.585 0.421	5.3389E-03 3.3977E-03 4.0595E-04 1.1342E-03 1.2820E-03 4.1131E-03
58	10158	Entrez Gene	PDZK1結合タンパク質1	35430_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.427	4.0549E-03
59	10001	Entrez Gene	RNAポリマラーゼII転写因子、サブユニット6ホモログ (酵母)	33334_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.427	3.3325E-03
60	97	Entrez Gene	アシルスファタゼ1、赤血球型(一般型)	33334_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.427	3.3325E-03
61	M11119	GenBank	GREB1タンパク質	38850_at 38875_r_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.428 0.428	8.8745E-03 1.0961E-04
62	9687	Entrez Gene	GREB1タンパク質	38875_r_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.428	1.0961E-04
63	51097	Entrez Gene	サッカロシ脱水素酵素(推定)	34863_s_at 34852_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.430 0.680	9.0435E-03 6.5823E-03
64	2217	Entrez Gene	IgGFcγ3γ4メント、受容体、トランスホクター、α	31431_at	Day 7 Peri/ Day 7 Control	0.430	7.9132E-04

【 0 2 3 7 】

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
65	1983	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子5	167_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.431	3.2376E-04
66	51601	Entrez Gene	リボ酸転移酵素1	167_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.519	7.0198E-03
67	9145	Entrez Gene	シナプトキリン1	37441_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.432	3.4529E-03
68	1117	Entrez Gene	キナーゼ3様2	35354_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.432	1.9735E-03
				35354_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.469	5.7597E-03
69	13	Entrez Gene	アリアルアセトアミド脱アセチル酵素(エストラゼ)	31891_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.432	5.3219E-04
				35512_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.434	1.5905E-04
70	2518	Entrez Gene	ホスホリボシルグリシンアミドホリルトランスフェラーゼ、 ホスホリボシルグリシンアミドシンターゼ、ホスホリボ シルアミドイミダゾールシンターゼ	38384_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.436	8.9104E-03
71	HG3570- HT377	The Institute for Genomic Research	...	936_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.437	1.3929E-04
				936_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.554	6.0851E-03
				936_s_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.679	6.6192E-03
72	53335	Entrez Gene	B細胞CLL/リンパ腫11A(ジンフィカタンパク質)	41355_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.438	5.3163E-03
73	57790	Entrez Gene	GATAジンクフィンガトメイン含有1	34195_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.441	6.2766E-04
74	8905	Entrez Gene	アダプタタンパク質複合体1、γ2サブユニット	38798_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.441	6.9368E-03
				38798_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.480	6.4090E-03
75	26	Entrez Gene	アミロイド結合タンパク質(アミロイドゼ(銅含有))	37186_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.443	5.1668E-03
76	AL080082	GenBank	MRNA:cdNADKZFp564G1162 (クロンDNKFZp564G1162由来)	35581_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.444	9.2254E-03
77	9524	Entrez Gene	糖タンパク質、シナプス2	38968_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.444	3.9851E-03
				38968_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.530	1.4148E-03
78	91137	Entrez Gene	仮想タンパク質BC017169	38966_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.614	2.1060E-03
				37178_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.449	3.9314E-03
79	56288	Entrez Gene	par-3ハニョコング欠陥3ホモログ(C. elegans)	40973_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.451	2.5668E-03
				40973_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.533	5.0405E-03
80	26154	Entrez Gene	ATP結合カセット、サブファミリーA(ABC1)、メンバー12	31754_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.453	4.6700E-03
				31754_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.557	5.7474E-03
81	260294	Entrez Gene	ウイリアムズ・ジェンソン症候群染色体領域20C	41258_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.453	3.7268E-03

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
82	1410	Entrez Gene	クリスリン, αB	32242_at 32243_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.454 0.468	8.8598E-03 5.9480E-03
83	131544	Entrez Gene	仮想タンパク質DKF2p667G2110	41274_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.454	4.4963E-03
84	10733	Entrez Gene	ホロキナーゼ4(シヨウヨウハエ)	41274_at 975_at	Day 3 Peri / Day 3 Control Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.589 0.455	7.5530E-03 5.4588E-03
85	8848	Entrez Gene	TSC22ドメインファミリーメンバ-I	975_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.459	4.3469E-03
86	10181	Entrez Gene	RNA結合タンパク質5	39032_at 1555_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra Day 0 Peri / Day 0 Control	0.455 0.460	1.8273E-03 1.4047E-03
87	5264	Entrez Gene	ワタノイルCoAヒドロキシラーゼ(レフサム病)	32724_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.465	4.1244E-03
88	10529	Entrez Gene	ワレット	34873_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.466	5.5136E-03
89	80481	Entrez Gene	ELOVL7ファミリーメンバ-5, 長鎖脂肪酸伸長 (FEN1/Elo2, SUR4/Elo3様, 酵母)	33821_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.468	8.7794E-03
90	6924	Entrez Gene	転写伸長因子B(SIII), ホリヘフスト3 (110kDa, イロンギンA)	32049_f_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.469	3.1906E-03
91	10248	Entrez Gene	前駆体プロセシング7, リボヌクレオチドポリヌクレオチド (S. cerevisiae)	32213_at	Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.470	8.0083E-03
92	1545	Entrez Gene	シクロロP450, フアミル-I, サブファミリーB, ホリヘフスト1	40071_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.471	9.8480E-03
93	1152	Entrez Gene	クリアチンキナーゼ, 脳	40863_f_at 40863_r_at	Day 7 Intra / Day 7 Control Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.472 0.507	4.0142E-03 3.2271E-04
94	10450	Entrez Gene	ヘパチシアルブロン異性化酵素E(シクロフィリンE)	34365_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.473	5.7231E-03
95	HG1112~ HT11	The Institute for Genomic Research	...	34365_at 1839_at	Day 3 Intra / Day 3 Control Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.518 0.538	4.1270E-03 2.8273E-03
96	10090	Entrez Gene	ウロニル2-スルホトランスフェラーゼ	1839_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.535	1.6274E-03
97	4129	Entrez Gene	モノアミン酸化酵素B	41858_at 41859_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.474 0.521	1.8927E-03 1.4198E-04
98	352961	Entrez Gene	MHCクラスIImRNAフラグメント3.8-I	37828_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.475	8.4099E-04
99	10314	Entrez Gene	LANCタンパク質オキソリブリンターゼ成分C様(細菌)	34934_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.479	6.5297E-03
100	10628	Entrez Gene	チオレドキシニン結合タンパク質	39441_at 31508_at	Day 0 Peri / Day 0 Control Day 0 Intra / Day 0 Control Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.482 0.488 0.482	2.7594E-03 6.0119E-04 9.0158E-03

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトコル	比較	倍率変化	P値
101	8532	Entrez Gene	カルホキペプタゲゼZ	37248_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.483	2.2128E-04
				37248_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.522	7.1260E-04
				32664_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.483	2.7472E-03
102	6038	Entrez Gene	リボヌクレアゼ、RN7セA7アミリ-4	32664_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.569	4.9281E-04
				32664_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.636	5.8524E-04
				32664_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.591	3.6796E-03
103	10924	Entrez Gene	スフィンゴミリンホスホジエステラセ酸様3A	39960_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.483	8.6125E-03
104	6414	Entrez Gene	セラプロテインP、血漿、1	34363_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.488	8.0330E-03
105	9987	Entrez Gene	ヘテロ核RNA-タンパク質D様	32393_s_at	Day 3 Intra/ Day 3 Peri	0.489	1.9407E-03
106	8534	Entrez Gene	RNA末端リボヌクレオチドメイシ	35195_at	Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.489	1.6326E-03
107	4163	Entrez Gene	大腸癌変異	35561_at	Day 0 Intra/ Day 0 Peri	0.489	6.2800E-05
				35561_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.606	7.2171E-03
108	7262	Entrez Gene	フレグストリンホモジナート様トメイン、アミリ-A、タンハ-2	31888_s_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.490	4.0424E-03
109	26039	Entrez Gene	第18染色体滑膜肉腫転座遺伝子様1	31903_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.493	1.3274E-03
110	1525	Entrez Gene	コクサキウイルス・アデノウイルス受容体	37534_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.493	7.3178E-03
111	2947	Entrez Gene	グルタチオンS-トランスフェラーゼ M3(脳)	1120_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.494	7.1603E-03
112	11072	Entrez Gene	二重特異性ホスファターゼ14	38272_at	Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.494	1.4839E-03
				38327_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.497	4.4983E-04
113	6490	Entrez Gene	シルバホモログ(マウス)	38327_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.512	5.3933E-04
114	8854	Entrez Gene	ヒリトホモログ2(ショウジョウバエ)	38327_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.710	9.2062E-03
				35008_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.497	4.3990E-03
115	4176	Entrez Gene	MCM7ミニクロモソーム維持欠陥7(S. cerevisiae)	947_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.498	7.8436E-04
116	2197	Entrez Gene	普遍的発現Finkel-Biskis-Reillyマウス肉腫ウイルス (FBR-MuSV)(fox由来)ホソムタンパク質S30	31955_at	Day 7 Peri/ Day 7 Control	0.498	8.3003E-03

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
117	104	Entrez Gene	アデノシンアミナーゼ、RNA特異的、B1(RED1)ラットホモログ	38748_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.499	8.5077E-04
118	4898	Entrez Gene	サルジリジン(二塩基性N-アルギニン)変換酵素	38748_at 34787_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.541 0.499	1.9004E-03 2.6275E-03
119	6662	Entrez Gene	SRY(性決定領域Y)ホックス9(固曲肢異形成症、常染色体逆性)	33435_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.500	5.3219E-03
120	2114	Entrez Gene	vets赤芽球症ウイルスE26癌遺伝子ホモログ2(トリ)	33435_at 38739_at	Day 0 Intra/ Day 0 Peri Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.521 0.501	8.5777E-03 4.4662E-03
121	1158	Entrez Gene	クレアチンキナーゼ、筋肉	32485_at	Day 0 Peri/ Day 0 Intra	0.501	6.1425E-03
122	9831	Entrez Gene	シンクアインガタンパク質623	39954_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.505	3.3609E-03
123	1573	Entrez Gene	シクロロP450、ファミリー2、サブファミリー1、ホリヘブチド2	501_d_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.505	2.0051E-03
124	22982	Entrez Gene	KIAA0934	501_d_at	Day 3 Intra/ Day 3 Control	0.529	4.2791E-03
125	51710	Entrez Gene	シンクアインガタンパク質44(KOX7)	33408_at 35409_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra Day 3 Intra/ Day 3 Peri	0.505 0.507	3.1621E-03 5.1572E-03
126	2533	Entrez Gene	FYN結合タンパク質(FYB-120/130)	41819_at	Day 3 Intra/ Day 3 Peri	0.507	3.0115E-03
127	9857	Entrez Gene	中心体結合タンパク質350	33805_at	Day 3 Intra/ Day 3 Peri	0.508	4.3400E-05
128	9891	Entrez Gene	NUAKファミリー、SNF1様キナーゼ、1	33787_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.508	1.4528E-03
129	9833	Entrez Gene	母体胎芽ロインシンパキナーゼ	38847_at	Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.510	9.6404E-03
130	U18300	GenBank	損傷特異的DNA結合タンパク質2、48kDa//LIMホモホックス3	1243_at 1243_at 1243_at 40461_at 40461_at 40461_at 35329_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control Day 0 Peri/ Day 0 Control Day 7 Peri/ Day 0 Peri Day 3 Intra/ Day 0 Intra Day 7 Intra/ Day 0 Intra Day 3 Peri/ Day 0 Peri Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.511 0.556 0.749 0.513 0.609 0.738 0.513	4.6848E-04 6.7443E-03 8.6022E-03 6.7008E-04 6.3269E-03 3.2244E-03 1.8894E-03
131	23051	Entrez Gene	シンクアインガおよびホモホックス3	40461_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.738	3.2244E-03
132	51706	Entrez Gene	シクロP450、ファミリー2、サブファミリー1、ホリヘブチド2	35329_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.513	1.8894E-03

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
133	3422	Entrez Gene	インベンニルリン酸Δイミラーゼ1	36985_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.515	5.4407E-03
134	7728	Entrez Gene	シグファインガタンパク質175	37500_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.515	4.1955E-03
135	36	Entrez Gene	アシルCoAデヒドロゲナーゼ、短鎖・分枝鎖	40673_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.515	1.3679E-03
136	2013	Entrez Gene	上皮膜タンパク質2	39631_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.517	3.1103E-03
137	81563	Entrez Gene	第1染色体オプテリディングフレム21	39631_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.529	5.1987E-04
138	1638	Entrez Gene	トバクロム互変異性酵素 (トバクロムデヒドロイミラーゼ、チロシン関連タンパク質2)	41679_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.517	1.2344E-03
139	10965	Entrez Gene	アシルCoAチオエステラーゼ2	41679_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.607	8.6951E-03
140	10284	Entrez Gene	Sim3結合ホリパチ、18kDa	41182_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.518	2.7300E-05
141	57613	Entrez Gene	KIAA1467タンパク質	41277_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.520	2.4318E-03
142	2647	Entrez Gene	リソソム関連オルガネラ複合体1、サブユニットの生合成	41826_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.520	5.9388E-03
143	7073	Entrez Gene	TIA1細胞傷害性顆粒結合RNA結合タンパク質様1	39133_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.520	1.5729E-03
144	AF096870	GenBank	3要素モチーフ含有16///3要素モチーフ含有16類似; エストロゲン応答Bボックスタンパク質	41761_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.521	4.5836E-03
145	8853	Entrez Gene	増殖・分化促進因子2	38881_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.521	1.0549E-04
146	4968	Entrez Gene	8-オキソグアノニDNAグリコシラーゼ	39410_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.521	2.9990E-03
147	2110	Entrez Gene	電子伝達フラボタンパク質デヒドロゲナーゼ	38335_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.522	7.5888E-04
148	4713	Entrez Gene	NADHデヒドロゲナーゼ(ユビキノリンβサブコンプレックス, 7, 18kDa)	38335_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.626	6.6349E-03
149	1396	Entrez Gene	システインリリチタンパク質1(腸)	38335_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.759	8.2179E-03
				33494_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.523	1.1689E-03
				35773_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.525	1.8840E-03
				35774_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.748	5.4735E-03
				33232_at	Day 7 Peri / Day 3 Peri	0.791	1.2691E-03
				33232_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.526	3.2907E-04
				33232_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.596	1.5417E-03

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
150	771	Entrez Gene	炭酸脱水酵素XII	36454_at 35275_at	Day 0 Peri / Day 0 Control Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.528 0.650	3.3461E-03 2.8445E-03
151	55187	Entrez Gene	液胞タンパク質ソリグ13D(酵母)	32743_at 32743_at 32743_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra Day 0 Peri / Day 0 Control Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.527 0.619 0.772	2.5585E-03 1.5268E-03 6.0079E-03
152	498	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、ミトコンドリアF1複合体、 $\alpha$ サブユニット、アイソフォーム1、心筋	40095_at 40095_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.527	6.5302E-03
153	9140	Entrez Gene	ATG12オキザリジン関連12ホモログ(S. cerevisiae)	32720_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.530	2.7861E-04
154	242	Entrez Gene	アラビン酸12-リボキシナーゼ、12R型	33029_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.530	9.3336E-03
155	23505	Entrez Gene	KIAA0240	38892_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.531	5.3954E-03
156	5985	Entrez Gene	複製因子C(活性化因子1)5.36.5kDa	553_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.533	6.1850E-03
157	26610	Entrez Gene	伸長タンパク質4ホモログ(S. cerevisiae)	36347_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.533	6.3391E-03
158	6595	Entrez Gene	SWI/SNF関連、マトリックス結合、アグチン依存性、クロマチン調節因子、サブアミナ、タンハ-2	40361_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.533	6.2437E-03
159	5110	Entrez Gene	タンパク質-イソアスパラギン酸(D-アスハラギン酸)O-メチル基転移酵素	37737_at 37738_g_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra Day 3 Peri / Day 3 Control	0.534 0.578	2.5151E-03 3.6789E-03
160	113146	Entrez Gene	第14染色体オプテリディングフレム78	36497_at 36497_at 36497_at	Day 3 Peri / Day 3 Control Day 7 Peri / Day 0 Peri Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.535 0.545 0.577	3.4244E-03 2.9700E-05 3.7100E-05
161	201229	Entrez Gene	飯想タンパク質LOC201229	39557_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.535	2.3943E-03
162	22909	Entrez Gene	KIAA1018タンパク質	36458_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.536	6.1234E-03
163	51059	Entrez Gene	アトミドセドメイン含有5	33309_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.536	9.8735E-03
164	114882	Entrez Gene	オキシステロイド結合タンパク質様8	41438_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.536	3.0521E-03
165	10124	Entrez Gene	ADPリボシル化因子様4	33795_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.537	6.8633E-03

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
166	10653	Entrez Gene	セルリンペプチダーゼ阻害剤、クニツタ7、2	34348_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.537	9.4449E-03
167	10434	Entrez Gene	リゾチスホリハセ1	34348_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.573	7.9326E-03
168	399563	Entrez Gene	仮想タンパク質FLJ43306	34348_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.659	5.3002E-03
169	123	Entrez Gene	脂防分化関連タンパク質	37151_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.541	7.9687E-03
170	60308	Entrez Gene	Fad1、フラビンモノオキシゲナーゼ、ホモログ(酵母)	34378_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.542	7.7014E-03
171	1652	Entrez Gene	DEAD(Asp-Glu-Ala-Asp)ホックスホリハセ10	39074_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.544	3.5087E-04
172	5130	Entrez Gene	リノール酸シタラシトランスフェラーゼ1、コリン、α	831_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.544	5.2360E-03
173	23345	Entrez Gene	スベクトリン反復含有、核膜1	39285_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.545	2.3355E-03
174	26235	Entrez Gene	Fホックスおよびロイシリツチリルタンパク質4	38113_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.546	1.8507E-03
175	80208	Entrez Gene	仮想タンパク質FLJ21439	39987_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.546	3.2958E-03
176	202	Entrez Gene	absent in melanoma 1	40815_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.546	5.1850E-03
177	9774	Entrez Gene	BCL2結合転写因子1	32112_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.547	1.9891E-03
178	5268	Entrez Gene	セルリンペプチダーゼ阻害剤、クレチンB(オホアルブミン)、メンバ-5	32112_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.617	9.6499E-03
179	1474	Entrez Gene	シタチンE/M	38050_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.547	4.7061E-03
180	5927	Entrez Gene	ミトリン2	862_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.548	8.5245E-03
181	4232	Entrez Gene	中胚葉特異的転写産物ホモログ(マウス)	862_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.576	5.9941E-03
182	2145	Entrez Gene	zesteのエンバサホモログ1(ショウジョウバエ)	33128_s_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.549	1.9072E-03
183	2959	Entrez Gene	基本転写因子IIB	33128_s_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.505	2.6588E-03
184	U73737	GenBank		34389_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.549	2.5016E-03
				34389_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.535	6.4351E-03
				37749_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.553	9.8929E-04
				32259_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.554	8.0450E-03
				32259_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.593	1.0957E-03
				1070_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.556	4.5246E-03
				1017_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.556	4.6650E-03

【 0 2 4 4 】

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
185	4736	Entrez Gene	リボソームタンパク質L10a	36786_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.556	7.2273E-04
				36786_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.592	1.4203E-03
				36786_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.622	8.0958E-04
				36786_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.668	3.0374E-03
				36786_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.763	1.0378E-03
186	644	Entrez Gene	ヒパルジンシクロクセア	32618_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.557	3.0605E-04
				32618_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.620	3.2950E-04
				32618_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.877	7.9770E-03
				32618_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.702	5.1159E-03
				31936_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.558	3.7112E-03
188	3033	Entrez Gene	L-3-ヒドロキシアシルCoA7'ヒドロクセ、短鎖	35435_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.558	7.5277E-03
189	10300	Entrez Gene	カタニンp80(WD反復含有)リボユニットB1	40976_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.892	5.5220E-03
190	55651	Entrez Gene	核小体タンパク質ファミリーA、タンパク質2 (H/ACA核小体低分子RNA)	41322_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.559	1.2634E-03
191	11336	Entrez Gene	SEC6様1(S. cerevisiae)	41322_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.675	9.6475E-03
				37597_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.560	4.7633E-03
				37597_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.565	9.6420E-04
192	7009	Entrez Gene	精巣増強遺伝子転写産物(BAXインビター)	33988_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.560	1.0937E-03
193	23107	Entrez Gene	ミトコンドリアリボソームタンパク質S27	33988_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.582	8.2347E-04
				39377_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.561	3.7750E-03
				39377_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.571	9.8955E-03
				39377_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.634	9.8004E-03
				160044_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.562	5.6984E-03
195	2746	Entrez Gene	アコニタセ2、ミトコンドリア型	160044_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.563	6.9886E-03
196	57209	Entrez Gene	グルタミル酸デヒドロクセ1	35139_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.555	2.1978E-03
197	6477	Entrez Gene	セリン、イン、アブセンチアホモロク1(シロウシヨウハ)	32161_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.565	2.6625E-03
198	6166	Entrez Gene	リボソームタンパク質L36a様	39856_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.566	7.8476E-03
199	7175	Entrez Gene	転座プロモーター領域(活性化)したMET1遺伝子への	421_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.569	3.6369E-03

【 0 2 4 5 】

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
200	8349	Entrez Gene	H2b2, H2be	3352_at 3352_at	Day 3 Intra / Day 3 Control Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.570 0.517	6.1256E-03 5.0561E-03
201	171546	Entrez Gene	第14染色体オプテリディングフレーム147	33398_at 33399_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.571 0.656	4.6866E-03 8.3383E-03
202	10553	Entrez Gene	HIV-1 Tat結合タンパク質2, 30kDa	38824_at 38824_at	Day 3 Peri / Day 3 Control Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.571 0.592	7.2789E-03 5.7073E-03
203	115817	Entrez Gene	リボソームタンパク質(SDRファミリー)メンバー	39103_s_at 39103_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control Day 0 Intra / Day 0 Control Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.571 0.592 0.601	2.1724E-04 1.8258E-03 5.7200E-03
204	25613	Entrez Gene	ソテングおよびアセンブリ機構成分50kDaモロフ (S. cerevisiae)	34845_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.572	1.2889E-03
205	25863	Entrez Gene	DKFZP564G2022タンパク質	40437_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.572	3.2143E-03
206	1212	Entrez Gene	クアスリン、軽銅ホリオンタンパク質(Lcb)	32523_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.573	4.0809E-03
207	1652	Entrez Gene	DNA複製互変異性酵素	374_f_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.573	7.7105E-03
208	27335	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3, サブユニット12	31492_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.574	7.4544E-04
209	217	Entrez Gene	アルデヒド脱水素酵素27ファミリー(ミトコンドリア型)	32747_at 32747_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.574 0.741	5.1549E-04 2.4111E-03
210	10049	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ, サブファミリーB, メンバー6	41234_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.577	3.8743E-03
211	8315	Entrez Gene	BRCA1結合タンパク質	41512_at 41512_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.577 0.577	1.1128E-03 7.0812E-04
212	8623	Entrez Gene	アセチルセロニン-O-メチルトランスフェラーゼ様	36553_at 36553_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.578 0.710	7.1773E-04 1.0994E-04
213	169611	Entrez Gene	オルファクトマン様2A	38312_at 38312_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.579 0.719	3.6248E-03 4.2489E-04
214	11066	Entrez Gene	U11/U12snRNP35K	41029_at 41029_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.580 0.589	1.0146E-03 7.2521E-03
215	9936	Entrez Gene	OD302抗原	34760_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.580	5.4949E-04

【 0 2 4 6 】

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
216	4729	Entrez Gene	NADHデヒドロゲナーゼ (ユビキノン)フラホネタンパク質2, 24kDa	34893_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.581	9.2931E-03
				34893_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.600	1.3243E-03
217	987	Entrez Gene	LPS応答性小胞輸送、ヒトおよびアンカ含有	35371_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.582	1.9359E-03
				35371_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.618	2.4693E-03
				35371_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.652	2.1271E-03
218	128	Entrez Gene	アルコールデヒドロゲナーゼ 5(クラスIV), Xホリペプチド	37708_s_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.582	8.9780E-03
				37708_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.600	6.4350E-03
219	65055	Entrez Gene	第2染色体オプテリジン・グレン・L23	36096_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.583	2.9762E-03
220	7285	Entrez Gene	チオレドキシ	35992_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.583	3.0827E-03
221	5917	Entrez Gene	アルキニルRNA合成酵素	35992_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.673	4.8045E-03
				549_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.584	6.5983E-03
222	10980	Entrez Gene	COP9構成的光形態形成モログサブユニット6 (Arabidopsis)	40138_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.584	6.5668E-03
223	2621	Entrez Gene	増殖停止特異的6	1597_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.585	6.8296E-03
				1597_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.699	5.8701E-03
224	831	Entrez Gene	カルバスターン	41257_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.585	5.3045E-04
				41257_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.700	3.4819E-03
225	5927	Entrez Gene	十文字、ATリッ相互作用ドメイン1A(RBBP2様)	1785_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.585	3.1353E-03
226	2824	Entrez Gene	糖タンパク質MBB	37251_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.586	8.6502E-03
227	1153	Entrez Gene	低温誘導性RNA結合タンパク質	39864_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.587	2.1268E-03
				39864_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.611	6.9554E-03
228	645	Entrez Gene	ヒパルグルンダクセB(ワレシンドラダクセ(NADPH))	37002_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.588	8.3451E-04
229	8581	Entrez Gene	リンハ球抗原6複合体、D遺伝子座	36284_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.589	9.2936E-03
230	A8006760	GenBank	レクチン、カラカシト結合性、可溶性、3(カレクチン3)///カレクチン-3内在遺伝子	35367_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.590	8.4864E-03
				35367_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.683	4.0159E-04
				35367_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.753	8.3297E-03
231	6929	Entrez Gene	転写因子3(E2A免疫グロブリンエンハンサー結合因子E12/E47)	1373_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.590	2.7482E-03
				1373_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.738	3.1310E-04

【 0 2 4 7 】

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
232	10476	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、ミトコンドリアF0複合体サブユニットd	35760_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.590	1.5912E-03
233	7022	Entrez Gene	転写因子AP-2γ (活性化エンハンサ結合タンパク質2γ)	35760_at 40303_at	Day 0 Peri / Day 0 Control Day 3 Peri / Day 3 Control	0.738 0.591	8.9277E-03 7.9662E-03
234	2806	Entrez Gene	グルタミン酸オキサロ酢酸アミノ基転移酵素2、ミトコンドリア型(アミノ酸アミノ基転移酵素2)	40764_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.591	2.0500E-03
235	23185	Entrez Gene	Lar1核タンパク質ドメインファミリー、メンバ-5	32586_at 32586_at 32586_at	Day 0 Peri / Day 0 Control Day 3 Peri / Day 3 Control Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.591 0.585 0.782	3.7384E-03 8.4169E-04 5.1596E-03
236	HG3254-H1343	The Institute for Genomic Research	--	1163_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.591	5.8755E-03
237	708	Entrez Gene	補体成分1、αβコンホネット結合タンパク質	37688_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.591	6.3705E-03
238	81875	Entrez Gene	インターロン活性化エキソヌクレアーゼ遺伝子20kDa様2	40946_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.593	3.2988E-03
239	A1032612	GenBank	エラゼ1、(α)核内低分子リホヌクレオタンパク質ホリヘンチド	41403_at 41403_at 34990_at 34990_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra Day 7 Peri / Day 7 Extra Day 3 Peri / Day 0 Peri Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.593 0.874 0.593 0.711	2.1595E-03 9.8788E-04 3.4333E-04 9.8766E-03
240	28040	Entrez Gene	SET結合タンパク質1	32715_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.593	2.2624E-03
241	8673	Entrez Gene	小胞結合膜タンパク質8(イントグレシン)	32715_at 32715_at 36588_at	Day 0 Peri / Day 0 Control Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.528 0.594	1.3473E-03 2.9354E-03
242	23353	Entrez Gene	unc-84(モログA/C. elegans)	2051_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.594	5.4697E-03
243	4255	Entrez Gene	O-6-メチルグアニン-DNAメチルトランスフェラーゼ	41573_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.594	6.5653E-03
244	6670	Entrez Gene	Sp3転写因子	34350_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.595	8.1420E-03
245	6249	Entrez Gene	レスラン(Reed-Steinberg)細胞発現中間経路タンパク結合タンパク質	33916_at 33916_at 40268_at	Day 0 Peri / Day 0 Control Day 3 Peri / Day 3 Control Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.595 0.647 0.596	3.7132E-03 6.0432E-03 5.8255E-03
246	11188	Entrez Gene	nischarin				
247	2355	Entrez Gene	FOS様抗原2				

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
248	2547	Entrez Gene	チャイニスハムスタ細胞における修復欠陥を補完するX線修復6(Ku自己抗原、70kDa)	32766_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.597	8.7735E-04
249	545	Entrez Gene	毛細血管拡張運動失調症およびRad3関連	37229_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.597	5.6822E-03
250	4775	Entrez Gene	活性化T細胞核因子、細胞質性、カルシウム依存性3	40822_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.619	5.1546E-03
251	8776	Entrez Gene	ミオチューブライン関連タンパク質1	40823_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.633	7.3198E-03
252	4790	Entrez Gene	B細胞のκ軽鎖ペプチド遺伝子エンハンサーの核因子1(p105)(p105)	40822_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.746	7.0070E-03
253	AL080234	GenBank	ホモサピエンス(ヒト)の胎児肝臓の完全長cDNAクローンCSODM001YA04	34654_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.598	1.6699E-03
254	26135	Entrez Gene	SERPINE1 mRNA結合タンパク質1	34654_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.631	5.7609E-03
255	23234	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ、サブファミリーC、メンバー9	1378_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.598	6.5681E-03
256	94239	Entrez Gene	ヒストンH2Aファミリー、メンバー	1378_g_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.646	7.6400E-03
257	AI557912	GenBank	ミトコンドリア外膜トランスロカセ7ホモログ(酵母) /// 仮想タンパク質LOC201725	38070_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.596	4.0826E-03
258	4437	Entrez Gene	mutSホモログ3(大腸菌)	40440_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.599	7.7405E-03
259	3550	Entrez Gene	IKサイトカイン、HLAIIβウレキレチン	40440_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.727	9.6881E-03
260	5453	Entrez Gene	POUドメイン、クラス3、転写因子1	41569_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.599	4.9293E-03
				41569_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.615	8.2268E-03
				39046_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.600	7.9321E-03
				39046_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.650	5.0612E-03
				39025_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.601	3.8543E-03
				39025_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.716	2.2149E-03
				39025_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.727	5.2071E-03
				39025_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.798	1.0424E-03
				1719_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.603	6.7926E-03
				218_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.606	4.9835E-04
				33675_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.606	4.5158E-03

【 0 2 4 9 】

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
261	6651	Entrez Gene	SONDNA結合タンパク質	39086_at 39098_at 39098_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra Day 7 Intra/ Day 7 Peri Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.607 0.641 0.710	3.4000E-03 4.2992E-03 4.2168E-03
262	353	Entrez Gene	アデニンホスホリボシトランスフェラーゼ	34310_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.607	7.6231E-03
263	6427	Entrez Gene	スプライシング因子、アルギニン/セリンリッパ2	35111_s_at 36111_s_at 36111_s_at	Day 3 Peri/ Day 3 Intra Day 7 Peri/ Day 7 Extra Day 7 Intra/ Day 7 Extra Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.619 0.607 0.665 0.709	3.4883E-03 1.0792E-03 1.5173E-04 6.0916E-03
264	221749	Entrez Gene	第6染色体オミゲンリディングフレーム145	34246_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.608	3.6829E-03
265	79703	Entrez Gene	仮想タンパク質FLJ22531	41804_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.608	1.1934E-04
266	27292	Entrez Gene	シタルアデニシトランスフェラーゼ	39883_at	Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.609	2.6811E-03
267	54655	Entrez Gene	円形精子細胞塩基性タンパク質1	37828_at 37828_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra Day 0 Peri/ Day 0 Intra	0.610 0.626	7.8572E-04 4.8045E-03
268	513	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、ミトコンドリアF1複合体、δサブユニット	37992_s_at	Day 7 Peri/ Day 7 Control	0.611	6.2111E-03
269	AL050081	GenBank	グルタミン酸受容体、イオンチャネル型、N-テール-D-アスパラギン酸様IA//GRIN1A結合タンパク質//グルタミン酸受容体、イオンチャネル型、N-テール-D-類似	35735_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.611	4.7952E-03
270	3301	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ、サブファミリーA、メンバー	39118_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.611	5.7425E-03
271	9349	Entrez Gene	リボソームタンパク質L23	32395_s_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.611	2.2608E-03
272	22826	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ、サブファミリーC、メンバー	36166_at	Day 0 Intra/ Day 0 Control	0.612	5.7794E-03
273	23090	Entrez Gene	ジンクフィンガータンパク質423	34950_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.613	2.6182E-04
274	54112	Entrez Gene	アホトシスモジュレーター1	34950_at 34767_at	Day 7 Intra/ Day 7 Peri Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.623 0.614	7.6235E-03 4.4658E-03
275	10497	Entrez Gene	unc-13ホモログB(C. elegans)	40087_at 40087_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control Day 0 Intra/ Day 0 Control	0.614 0.789	3.7491E-03 3.3634E-03
276	56967	Entrez Gene	第14染色体オミゲンリディングフレーム132	41837_at 41837_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.614 0.660	6.2326E-04 1.7553E-03

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
277	8560	Entrez Gene	変性精細胞ホモログ1、脂質デサチュラーゼ (シヨウシヨウハク)	33337_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.614	8.5255E-03
				33337_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.626	3.0395E-03
				33337_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.590	1.2271E-03
278	10975	Entrez Gene	ユビキリン-シトクロムC還元酵素、6.4kDaサブユニット	38451_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.614	8.2100E-05
279	10641	Entrez Gene	癌抑制遺伝子候補4	40497_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.614	9.7424E-03
				40497_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.655	1.1667E-04
280	8663	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3、サブユニット8、110kDa	34841_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.615	9.0352E-03
281	50717	Entrez Gene	WD反復ドメイン42A	34841_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.778	9.4126E-03
282	23392	Entrez Gene	KIAA0368	39823_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.616	2.9015E-03
283	5634	Entrez Gene	網膜芽細胞腫様2(p130)	34414_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.616	1.2883E-03
284	4781	Entrez Gene	核因子1/B	34414_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.644	5.3735E-03
285	23650	Entrez Gene	3要素ミチナ含有29	32597_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.616	8.7510E-03
				41229_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.616	3.0477E-03
				1898_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.617	3.0138E-03
286	8665	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3、サブユニット5(γシロ、47kDa)	32576_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.617	4.1860E-03
287	7203	Entrez Gene	シヤロニン含有TCP1、サブユニット3(γ)	40774_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.617	6.5652E-03
288	3418	Entrez Gene	イソクエン酸脱水素酵素2(NADPH)、ミトコンドリア型	32332_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.617	1.2980E-03
289	9	Entrez Gene	N-アセチルトランスフェラーゼ1(アミホアミン-N-アセチルトランスフェラーゼ)	38187_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.619	5.7524E-03
290	25797	Entrez Gene	グルタミルペプチドシクロトランスフェラーゼ (グルタミルシクロラーゼ)	35966_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.619	4.6622E-03
				35966_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.663	6.8919E-03
291	5092	Entrez Gene	6セルボイル-テトラヒドロピリニル合成酵素/肝細胞核 因子1α二量体化補因子(TCF1)	34352_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.620	2.4354E-03
292	7818	Entrez Gene	細胞死関連タンパク質3	34352_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.704	1.5982E-03
				1356_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.621	1.4788E-03

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
293	U05861	GenBank	アルファ還元酵素ファミリー1、メンバーC1 (シトクロームP450) 脱水素酵素1:20- $\alpha$ (3- $\alpha$ )-ヒドロキシステロイド脱水素酵素) // アルファ還元酵素ファミリー	32805_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.621	6.7226E-03
294	23063	Entrez Gene	K1AA0261	40086_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.623	5.5899E-03
295	9529	Entrez Gene	BCL2関連アタジン5	36463_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.624	7.6918E-03
296	57147	Entrez Gene	SCY1様3(S. cerevisiae)	41329_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.624	2.8063E-03
297	8888	Entrez Gene	MCM3ニ染色体維持欠陥3(S. cerevisiae)関連タンパク質	40459_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.624	4.8160E-03
298	10289	Entrez Gene	翻訳開始因子sui1ホモログ	33351_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.624	5.2711E-04
299	9536	Entrez Gene	プロスタグランジンE合成酵素	38131_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.626	1.7268E-03
300	22883	Entrez Gene	カルシニン	41498_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.626	9.0721E-03
				41498_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.777	3.9252E-03
301	7520	Entrez Gene	チャイニーズハムスター細胞における修復欠陥を補完するX線修復5(二本鎖切断修復; Ku自己抗原, 80kDa)	2093_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.627	1.0646E-03
302	24139	Entrez Gene	棘皮動物微小管結合タンパク質様2	38733_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.644	9.6588E-03
303	4928	Entrez Gene	スクレオリン88kDa	41328_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.627	4.4037E-03
304	3290	Entrez Gene	ヒドロキシアトロピ(11- $\beta$ )脱水素酵素1	38911_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.627	2.3405E-03
305	23351	Entrez Gene	K1AA0323	35702_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.628	6.5442E-03
				32592_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.628	8.9436E-04
				32592_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.679	8.2136E-03
306	2065	Entrez Gene	verb-b2赤芽球性白血病ウイルス癌遺伝子ホモログ3(hl)	2089_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.629	5.0250E-03
				32787_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.677	7.5081E-03
307	10217	Entrez Gene	CTD(カルホキシ末端)メインRNAポリマゼII、ホリファントA)スモルホスファタゼ様	40196_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.630	3.3471E-03
				40196_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.735	2.0122E-03
				40196_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.770	5.2302E-03
308	23658	Entrez Gene	LSM5ホモログ、U6核内低分子RNA結合(S. cerevisiae)	34270_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.831	1.9266E-03

【 0 2 5 2 】

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
309	W28948	GenBank	完全長インサートcDNAYH77E09	37161_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.631	4.5494E-03
310	22903	Entrez Gene	BTB(POZ)ドメイン含有3	37161_at 37765_at	Day 3 Peri / Day 3 Control Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.640 0.631	6.9170E-03 9.7703E-03
311	4681	Entrez Gene	神経芽細胞腫、腫瘍抑制1	37005_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.631	3.2813E-03
312	10301	Entrez Gene	リンパ性白血病欠失1	37005_at 33791_at 33791_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri Day 3 Peri / Day 0 Peri Day 7 Intra / Day 0 Intra Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.642 0.695 0.631 0.726	1.7449E-03 2.4042E-03 8.9965E-03 6.7457E-03
313	AF052138	GenBank	FLJ35348///7ドメイン含有3	41841_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.632	4.2490E-03
314	6209	Entrez Gene	FLJ35348///7ドメイン含有3	39916_f_at 39916_f_at	Day 7 Peri / Day 7 Control Day 3 Peri / Day 3 Control	0.633 0.575	1.4158E-03 7.7101E-03
315	8930	Entrez Gene	メチル化OpG結合ドメインタンパク質4	34386_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.634	3.7388E-03
316	8824	Entrez Gene	カルボキシステラセ2(腸、肝臓)	40882_at	Day 7 Peri / Day 7 Intra	0.635	9.8901E-03
317	10961	Entrez Gene	小胞体タンパク質29	36845_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.635	9.2309E-04
318	7265	Entrez Gene	テトラヒドロヘプタ 反復ドメイン1	37321_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.635	7.5603E-03
319	1428	Entrez Gene	グリスチン、μ	38285_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.636	1.2448E-03
320	10614	Entrez Gene	ヘキサチレンビスアセテート誘導1	40220_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.636	3.7740E-03
321	6128	Entrez Gene	リボソームタンパク質L6	31952_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.637	8.7667E-03
322	5245	Entrez Gene	7ドヒチン	36592_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.637	3.4444E-03
323	9296	Entrez Gene	ATP7セ、ブロン輸送型、リソソーム型14kDa、V1サブユニットF	37395_at 37395_at 37395_at 37395_at	Day 7 Peri / Day 7 Control Day 3 Peri / Day 3 Control Day 3 Peri / Day 3 Extra Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.638 0.722 0.810 0.840	2.2448E-03 8.6817E-04 7.4746E-03 4.0330E-03
324	1340	Entrez Gene	シクロ酸素オキシゲナーゼサブユニットVbホリヘフチド1 (ヒトキヌ)	40872_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.638	1.3105E-03
325	1891	Entrez Gene	エリルCoA加水酵素1、ペルオキシノム型	40872_at 32756_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.598 0.638	6.3894E-03 8.7097E-03
326	1632	Entrez Gene	ドナセ/イルCoAの異性化酵素 (3,2トランスエリルCoA異性化酵素)	37982_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.639	2.3722E-03
327	1933	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1β2	35748_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.639	7.8265E-04

【 0 2 5 3 】

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
328	6141	Entrez Gene	リボソームタンパク質L18	31546_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.639	6.8963E-03
				31546_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.691	6.7124E-03
				31546_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.760	9.8180E-03
329	4026	Entrez Gene	好ましい転座ハナを含む有る脂肪腫LIMT1メン	41195_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.639	3.3595E-03
330	6950	Entrez Gene	t複合体1	34791_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.640	3.7040E-03
331	29760	Entrez Gene	B細胞リガー	38242_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.640	7.2677E-04
332	573	Entrez Gene	BCL2関連アタジン	34798_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.642	4.4022E-03
333	2709	Entrez Gene	キヤプジンタンパク質、β5(コネキシン31.1)	38903_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.643	1.7967E-03
334	6230	Entrez Gene	リボソームタンパク質S25	31573_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.643	9.4033E-03
335	11083	Entrez Gene	細胞死関連転写因子1	32045_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.644	6.8658E-03
336	10247	Entrez Gene	熱応答性タンパク質12	32173_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.645	6.3967E-03
337	27057	Entrez Gene	スチアリン、RNA結合タンパク質、ホモク2(シグマ2)	38341_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.645	8.2036E-03
338	899	Entrez Gene	サイクリン	35907_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.646	8.5538E-03
339	HG162- HT3165	The Institute for Genomic Research	—	1278_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.647	6.0118E-03
340	6139	Entrez Gene	リボソームタンパク質L17	32440_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.647	6.1617E-03
341	9521	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1ε1	40587_s_at	Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.647	1.9928E-03
				40587_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.697	4.8656E-04
				40587_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.718	6.3530E-03
342	1054	Entrez Gene	CCAAT/エンハンサ結合タンパク質(C/EBP)	39219_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.647	8.7653E-03
				39219_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.676	1.0916E-03
343	7739	Entrez Gene	シグマ1タンパク質185(LIMT1メン)	32139_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.648	5.7560E-03
344	8664	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3, サブユニットγ、66/67kDa	35298_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.649	2.0180E-03
345	57418	Entrez Gene	WD反復ドメイン18	35983_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.651	3.7380E-03
346	6187	Entrez Gene	リボソームタンパク質S2	31527_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.651	6.9801E-03
347	11079	Entrez Gene	小胞体におけるRER1保留1ホモログ (S. cerevisiae)	41551_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.651	8.1132E-03
348	26211	Entrez Gene	嗅覚受容体、アミル2, サブユニットγ、マンハ	31921_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.652	2.1176E-03
349	6206	Entrez Gene	リボソームタンパク質S12	33117_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.652	2.4740E-03
350	9798	Entrez Gene	KIAA0174	36942_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.653	5.6656E-03

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
351	132556	Entrez Gene	転写因子BTF3ホモログ類似3	31519_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.653	9.2891E-03
352	8732	Entrez Gene	RNAポリリトランスクリプターおよび5'スプライサー	35202_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.654	1.2688E-03
353	4070	Entrez Gene	腫瘍関連カルシウムシグナルトランスデューサ2	291_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.654	9.5683E-03
354	7152	Entrez Gene	トホインシラゼ (DNA) 偽遺伝子2	291_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.655	8.7414E-03
355	4615	Entrez Gene	骨髄系分化一応答遺伝子(88)	31680_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.654	8.0454E-03
356	51567	Entrez Gene	TRAFおよびTNF受容体結合タンパク質	38869_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.654	5.5186E-03
357	9377	Entrez Gene	シクロオキシゲナーゼサブユニットVa	34825_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.655	3.0500E-05
358	7386	Entrez Gene	ヒキシルシクロオキシゲナーゼ、 リステル酸ホリホリホリ	41223_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.656	7.0968E-03
359	4835	Entrez Gene	NAD(P)H脱水素酵素、キノ2	34401_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.656	5.8159E-03
360	3298	Entrez Gene	熱ショック転写因子2	36880_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.657	7.2935E-03
361	4677	Entrez Gene	7SハキニルRNA合成酵素	202_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.658	7.1609E-03
362	HG1980- HT202	The Institute for Genomic Research	...	41241_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.658	3.0519E-03
363	23384	Entrez Gene	KIAA0376タンパク質	956_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.658	8.0238E-03
364	54107	Entrez Gene	ホリラゼ (DNA指向性)、ε 3(p17サブユニット)	34837_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.659	2.3071E-03
365	5635	Entrez Gene	核内低分子リボヌクレオタンパク質ホリホリホリ	38702_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.660	3.6355E-03
366	8192	Entrez Gene	CipPカゼン分解ペプチダーゼ、ATP依存性、 タンパク質分解サブユニットホリホリ (大腸菌)	36679_g_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.661	3.7759E-04
367	51690	Entrez Gene	LSM7ホリホリ、U6核内低分子RNA結合 (S. cerevisiae)	36679_g_at	Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.697	1.8900E-05
368	5936	Entrez Gene	RNA結合タンパク質4	32528_at	Day 7 Peri / Day 7 Intra	0.661	7.3475E-03
369	7004	Entrez Gene	TEADメインドメインタンパク質4	36846_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.662	8.8105E-04
370	3084	Entrez Gene	ヒスチン三連残基ヌクレオタンパク質1	35351_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.662	1.3875E-03
				41037_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.682	6.4186E-04
				41037_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.710	7.7243E-03
				41037_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.755	4.0427E-03
				1009_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.662	6.3194E-03
				1009_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.704	8.1604E-03

【 0 2 5 5 】

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
371	4832	Entrez Gene	非転移性細胞3、発現タンパク質	197_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.663	6.9663E-03
372	10557	Entrez Gene	リボヌクレオチドポリリン酸38kDaサブユニット	41040_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.663	2.3436E-03
				41040_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.667	4.5174E-03
373	26156	Entrez Gene	リボヌクレオチドポリリン酸含有1	39418_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.664	2.4392E-03
				39418_at	Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.691	5.6288E-03
				39418_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.730	4.3297E-03
374	6122	Entrez Gene	リボヌクレオチドポリリン酸含有L3	31722_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.665	8.4932E-03
				31722_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.792	9.5624E-03
375	6176	Entrez Gene	リボヌクレオチドポリリン酸含有L3、P1	31957_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.666	3.7416E-03
376	28053	Entrez Gene	自閉症感受性候補2	35648_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.667	3.9622E-03
				32244_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.667	8.9345E-04
377	56339	Entrez Gene	チロシントランスフェラーゼ様3	32244_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.726	7.6780E-03
				38810_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.667	1.7702E-04
378	10014	Entrez Gene	ヒストンH2Aセチラーゼ5	38810_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.778	7.8739E-03
				38810_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.784	9.3672E-04
379	10810	Entrez Gene	ST6(α-N-アセチルノイズミル-2,3-β-ガラクトシル-1,3)-N-アセチルガラクトサミンid α-2,6-シリアルトランスフェラーゼ2	34693_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.668	5.8340E-04
380	HG862-HT862	The Institute for Genomic Research	—	1151_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.669	1.5550E-03
381	10894	Entrez Gene	シヤベロニン含有TCP1、サブユニット8(θ)	39767_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.669	4.8792E-03
382	10038	Entrez Gene	ホリ(ADP)リボヌクレオチドポリリン酸含有2	34736_g_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.669	7.1429E-03
383	4856	Entrez Gene	腎臓細胞腫過剰発現遺伝子	39250_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.670	5.1134E-03
384	9314	Entrez Gene	クルッセル様因子4(消化管)	36214_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.670	7.5245E-03
385	4694	Entrez Gene	NADHデヒドロゲナーゼ(ユビキノリン)αサブユニット、1.7.5kDa	36169_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.671	5.9310E-04
				36169_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.706	1.3204E-03
				36169_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.710	9.3086E-03
				36169_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.754	3.5482E-03
386	10904	Entrez Gene	膀胱癌関連タンパク質	35267_g_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.672	2.1451E-03
				35266_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.815	4.112E-03
387	7411	Entrez Gene	フロンテックス・リンドウ結合タンパク質1	171_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.672	7.7370E-03
388	10682	Entrez Gene	エモミル結合タンパク質(ステロイドリノゲン)	32536_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.672	3.7237E-03

【 0 2 5 6 】

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P 値
389	8667	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3, サブユニット3 γ, 40kDa	35327_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.672	5.0680E-03
390	1349	Entrez Gene	シクロムオキシゲナーゼサブユニットV1b	36687_at	Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.673	1.8885E-03
391	54462	Entrez Gene	KIAA1128	37617_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.674	5.5416E-03
392	80003	Entrez Gene	pecanex様2(シヨウジヨウハ)	37617_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.696	9.3133E-03
393	25972	Entrez Gene	unc-50様蛋白(C. elegans)	39650_s at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.674	6.1109E-03
394	64795	Entrez Gene	飯想タンパク質FLJ13910	39442_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.675	9.6835E-03
395	5441	Entrez Gene	ホリマラセ(RNAⅢ)(DNA指向性)ホリマラセL, 7.6kDa	36580_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.676	3.2670E-03
396	2146	Entrez Gene	zeste様蛋白インハンサ2(シヨウジヨウハ)	35841_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.676	2.4659E-03
397	7743	Entrez Gene	ジックフインガタンパク質189	37305_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.677	5.6094E-03
398	2950	Entrez Gene	グルタチオンS-トランスフェラーゼπ	36072_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.701	9.0053E-03
399	50813	Entrez Gene	COP9構成的光形態形成ホモログサブユニット7A (Arabidopsis)	33396_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.678	3.7246E-03
400	3156	Entrez Gene	3-ヒドロキシ-3-メチルグルタル-CoA還元酵素	33396_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.679	6.0285E-03
401	6156	Entrez Gene	リボソームタンパク質L30	31708_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.695	5.1049E-03
402	516	Entrez Gene	ATP合成酵素, プロトン輸送性, ミトコンドリアF0複合体, サブユニットc(サブユニット9), アイソフォーム1	34404_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.681	4.7805E-03
403	9128	Entrez Gene	PRP4mRNA前駆体プロセッシング因子4様蛋白(酵母)	39328_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.681	6.1525E-03
404	3028	Entrez Gene	ヒドロキシアシルCoA脱水素酵素, II型	31708_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.682	4.7848E-03
405	2961	Entrez Gene	基本転写因子ⅡE, ホリマラセ2, β 34kDa	38076_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.682	3.2512E-04
406	10959	Entrez Gene	EBNA1結合タンパク質2	37936_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.682	1.2100E-03
407	6748	Entrez Gene	シグナル配列受容体, δ(トランスロケーションタンパク質δ)	37936_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.809	4.3656E-03
				40778_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.683	9.5528E-03
				40778_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.687	5.4834E-03
				40778_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.700	6.7401E-03
				40778_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.785	3.6406E-03
				37295_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.683	5.1041E-03
				37295_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.796	1.4662E-03
				36135_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.683	7.3375E-03
				36635_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.684	3.2000E-03

【 0 2 5 7 】

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
408	4610	Entrez Gene	v-myc骨髄芽球症ウイルス遺伝子ホモログ1、 肺癌由来(tli)	1490_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.684	2.9494E-04
409	4170	Entrez Gene	骨髄性細胞白血病配列1(BCL2関連)	277_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.684	9.6905E-03
410	23075	Entrez Gene	SWAP-70タンパク質	31869_at	Day 0 Peri/ Day 0 Intra	0.684	5.9905E-03
411	1537	Entrez Gene	シクロDc-1	1180_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.685	9.3616E-03
412	6768	Entrez Gene	腫瘍抑制14(結腸癌、マリアタセ、ヒピン)	35309_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.685	2.8284E-03
413	6138	Entrez Gene	リボソームタンパク質L15	32433_at	Day 0 Peri/ Day 0 Intra	0.686	4.8021E-03
414	23112	Entrez Gene	トリヌクレオチド反復含有6B	37487_at	Day 3 Intra/ Day 3 Peri	0.688	3.9849E-03
415	64976	Entrez Gene	ミトコンドリアリボソームタンパク質L40	32745_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.688	7.4413E-03
416	10420	Entrez Gene	精巢特異的キナーゼ2	33164_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.688	8.0384E-03
417	9759	Entrez Gene	ヒストンH4セアラゼ4	38271_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.689	4.9838E-03
				38271_at	Day 0 Peri/ Day 0 Intra	0.776	6.2327E-03
418	4676	Entrez Gene	ヌクレオソーム集合タンパク質1様4	32575_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.689	7.9600E-05
				32575_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.790	4.9890E-03
				32575_at	Day 3 Peri/ Day 3 Intra	0.820	9.3028E-03
419	5425	Entrez Gene	ホリラーゼ(DNA指向性)、 $\delta$ 2、制御サブユニット50kDa	1470_at	Day 3 Peri/ Day 3 Intra	0.689	5.7659E-03
420	6390	Entrez Gene	コハク酸脱水素酵素、サブユニットB、鉄硫黄(lp)	35751_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.689	9.9046E-03
421	162	Entrez Gene	アタプタ関連タンパク質複合体1、 $\beta$ 1サブユニット	40745_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.689	1.6623E-03
422	1749	Entrez Gene	ディスタルシネオホックス5	41087_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.689	3.6526E-03
423	6749	Entrez Gene	構造特異的認識タンパク質1	37739_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.690	4.8988E-03
424	4134	Entrez Gene	微小管結合タンパク質4	33850_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.690	9.2919E-04
				33850_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.747	6.7450E-03
425	6832	Entrez Gene	var1抑制因子、3様1(S. cerevisiae)	41408_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.691	6.4202E-03
426	10939	Entrez Gene	AFG3ATP7- $\gamma$ 7アミノ酸遺伝子3様2(酵母)	34315_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.692	3.6562E-04
427	22794	Entrez Gene	痛感受性候補3	38437_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.692	2.7057E-03
				38437_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.742	4.1247E-03
428	322	Entrez Gene	$\beta$ アミロイド(A4)前駆体タンパク質結合、77 $\alpha$ II-B、 タンパク質(Fe65)	1101_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.692	1.6594E-03

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
429	10570	Entrez Gene	シトクロームP450 2A6様4	39503_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.593	9.8610E-03
430	6637	Entrez Gene	核内低分子リボヌクレオタンパク質ホリホトG	37337_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.593	3.9690E-03
431	6337	Entrez Gene	ヒストン2.1H2aa	286_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.593	7.8013E-03
432	8193	Entrez Gene	リボソームタンパク質S5	32437_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.593	1.4564E-03
433	23492	Entrez Gene	クロモソームタンパク質7	32437_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.740	3.5964E-03
434	4809	Entrez Gene	NHP2非ヒストン染色体タンパク質2様1 (S. cerevisiae)	32437_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.808	6.6422E-03
435	589	Entrez Gene	KRIT1、アンギリン反復含有	36894_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.693	8.8784E-03
436	79090	Entrez Gene	輸送タンパク質粒子複合体6A	36894_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.742	1.5692E-03
437	328	Entrez Gene	APEX3クリアセ(多機能性DNA修復酵素)1	41746_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.742	3.4050E-03
438	84525	Entrez Gene	ホストメイン単独タンパク質	41746_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.693	5.4886E-03
439	2549	Entrez Gene	GRB2関連結合タンパク質1	34031_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.830	6.1703E-03
440	533	Entrez Gene	ATP7B、銅輸送型、リソソーム型21kDa、VOサブユニット	36528_at	Day 3 Intra/ Day 3 Peri	0.694	4.9207E-03
441	4717	Entrez Gene	NADHデヒドロゲナーゼ(ユビキノ)1、サブコンプレックス未知、1.6kD	2025_s_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.694	6.8032E-03
442	23385	Entrez Gene	ニカストリン	2025_s_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.695	4.9002E-03
443	23125	Entrez Gene	カルモジュリン結合転写活性化因子2	39698_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.745	9.3953E-03
444	2926	Entrez Gene	グリッチRNA配列結合因子1	39698_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.695	8.7269E-03
445	4678	Entrez Gene	核内自己抗原精子タンパク質(ヒストン結合性)	39997_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.695	2.4091E-04
446	1847	Entrez Gene	二重特異性ヌクレオチド	39997_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.710	2.0825E-03
447	22849	Entrez Gene	細胞質ポリリネール化因子結合タンパク質3	39997_at	Day 0 Peri/ Day 0 Intra	0.731	4.0375E-03
448	4717	Entrez Gene	NADHデヒドロゲナーゼ(ユビキノ)1、サブコンプレックス未知、1.6kD	36167_at	Day 7 Peri/ Day 7 Control	0.696	9.2513E-03
449	23385	Entrez Gene	ニカストリン	38485_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.696	2.0589E-03
450	23125	Entrez Gene	カルモジュリン結合転写活性化因子2	34835_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.696	1.6857E-03
451	2926	Entrez Gene	グリッチRNA配列結合因子1	34835_at	Day 3 Peri/ Day 3 Intra	0.790	4.8084E-03
452	4678	Entrez Gene	核内自己抗原精子タンパク質(ヒストン結合性)	41421_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.696	8.6780E-03
453	1847	Entrez Gene	二重特異性ヌクレオチド	32595_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.696	6.0979E-03
454	22849	Entrez Gene	細胞質ポリリネール化因子結合タンパク質3	33255_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.696	9.0975E-03
455	4717	Entrez Gene	NADHデヒドロゲナーゼ(ユビキノ)1、サブコンプレックス未知、1.6kD	529_at	Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.697	3.7478E-03
456	23385	Entrez Gene	ニカストリン	34931_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.697	6.8591E-03

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
448	10105	Entrez Gene	CTD(カルホキシン末端ドメイン, RNAポリメラーゼII, ポリヘプタドA)スモルホスファタセ2	41202_s_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.698	3.5449E-03
449	57017	Entrez Gene	第16染色体オープンリーディングフレーム49	34810_at	Day 7 Peri/ Day 7 Control	0.700	1.2592E-03
450	10329	Entrez Gene	膜貫通タンパク質5 HMGボックス転写因子1	34810_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.810	4.2261E-03
451	26959	Entrez Gene		37445_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.700	2.4850E-03
				35609_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.701	9.4669E-03
452	539	Entrez Gene	ATP合成酵素, プロトン輸送性, ミトコンドリアF1複合体, OXAFユニット (オキサミジン感受性付与タンパク質)	37029_at	Day 3 Peri/ Day 3 Intra	0.701	5.7342E-03
453	10542	Entrez Gene	B型肝炎ウイルス結合タンパク質	37029_at	Day 7 Intra/ Day 7 Control	0.784	7.2352E-03
				38054_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.704	9.1709E-03
				38054_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.782	3.3831E-03
454	8624	Entrez Gene	ダウン症候群重要領域遺伝子2	36088_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.704	8.0554E-03
455	594	Entrez Gene	B細胞転座相手遺伝子1, 抗増殖性	37294_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.704	5.5679E-03
456	5431	Entrez Gene	ポリラゼ(RNAIII/DNA指向性ポリヘプタドB, 140kDa)	39746_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.705	2.3347E-03
457	4174	Entrez Gene	MCM5ニ染色体維持欠陥5, 細胞分裂周期46 (S. cerevisiae)	882_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.706	4.9235E-04
458	10278	Entrez Gene	胎児性Fyn結合基質	33883_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.706	2.0000E-05
				33883_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.718	6.1275E-04
459	593	Entrez Gene	分枝鎖外酸脱水素酵素E1, αポリヘプタド(メチルプロップ尿酸症)	37704_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.707	1.4726E-03
				37704_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.720	1.7216E-03
460	4357	Entrez Gene	メルカプトヒル酸硫黄転移酵素	36124_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.707	7.1338E-04
461	3727	Entrez Gene	junD癌原遺伝子	41483_s_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.707	9.7391E-03
462	51835	Entrez Gene	デヒドロゲナーゼ/シタウタセ(SDR7A7ミリ)タンパク	39814_s_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.708	6.9810E-03
				39814_s_at	Day 3 Peri/ Day 3 Intra	0.740	6.8403E-03
463	22870	Entrez Gene	SAP97ミソアミリ, タンパク	36862_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.709	6.5040E-03

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
464	22882	Entrez Gene	ジンクフィンガ'およびホモボックス2	41503_at 41503_at 41503_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri Day 7 Intra/ Day 7 Peri Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.709 0.750 0.830	9.7700E-05 6.4066E-03 5.9812E-03
465	613	Entrez Gene	切断点クラスト領域	34870_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.709	4.4827E-03
466	7150	Entrez Gene	トホインマラセ (DNAII)	1030_s_at	Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.711	1.5853E-03
467	1329	Entrez Gene	シクロホオキシゲナーゼサブユニットVb	39921_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.711	8.1965E-03
468	51020	Entrez Gene	HDT'メイン含有2	34359_at	Day 7 Intra/ Day 7 Control	0.718	5.7364E-03
469	6888	Entrez Gene	トランスアクトラセ1	34359_at 37311_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra Day 7 Intra/ Day 7 Extra Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.712 0.777 0.713	2.4876E-03 2.6509E-03 2.9353E-04
470	3184	Entrez Gene	ヘテロ核リボヌクレオタンパク質(AUリッチ領域RNA結合タンパク質1, 37kDa)	36016_at	Day 0 Peri/ Day 0 Intra	0.714	4.2703E-03
471	6050	Entrez Gene	リボヌクレアゼ/アンキオゲニンビクター	36187_at 36187_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.715 0.730	1.3879E-03 5.3679E-03
472	2064	Entrez Gene	v-erb-b2赤芽球性白血病ウイルス癌遺伝子 ホモログ2, 神経芽細胞腫/膠芽腫由来癌遺伝子ホモログ (トリ)	33218_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.718	4.9044E-04
473	3054	Entrez Gene	宿主細胞因子C1(VP16)ケサリタンパク質)	33218_at 37910_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri Day 0 Intra/ Day 0 Peri	0.740 0.718	6.2999E-04 6.3341E-03
474	79026	Entrez Gene	AHNAK核タンパク質(デスモシン)	37027_at 37027_at 37027_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra Day 7 Peri/ Day 0 Peri Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.718 0.746 0.780	8.1471E-03 8.8700E-05 3.1374E-04
475	U77948	GenBank	基本転写因子II, i///基本転写因子II, i, 癌遺伝子1	35450_s_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.718	8.5556E-03
476	949	Entrez Gene	クラスBスカルパシオン受容体, メンバー1	41200_at 41200_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.720 0.721	1.3768E-03 1.6250E-03
477	1917	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1α2	35174_l_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.720	6.7372E-04
478	6205	Entrez Gene	リボヌクレオタンパク質S11	32330_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.721	3.3215E-03
479	10611	Entrez Gene	PDZおよびLIMドメイン5	37956_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.722	2.3752E-03
480	HG1614- HT161	The Institute for Genomic Research	---	954_s_at 954_s_at	Day 7 Peri/ Day 7 Control Day 7 Peri/ Day 7 Intra	0.722 0.747	8.4646E-03 1.0730E-03
481	79085	Entrez Gene	第9染色体オープンリーディングフレーム16	41047_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.725	5.9374E-03

【 0 2 6 1 】

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
482	9813	Entrez Gene	KUAA0494	41830_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.725	3.475E-03
483	22924	Entrez Gene	微小管結合タンパク質4, RP/EB77ミリンタン3	40825_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.725	1.1882E-03
484	26578	Entrez Gene	破骨細胞刺激因子1	40825_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.765	2.4008E-03
485	1347	Entrez Gene	外分泌腺タンパク質2(肝臓)	467_at	Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.725	7.2710E-03
485	3615	Entrez Gene	IMP(インソール)酸脱水素酵素2	41760_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.726	1.4278E-03
487	1981	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子4 Y, 1	36524_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.726	5.8955E-03
488	22934	Entrez Gene	リボヌクレオチド還元酵素A(リボヌクレオチド)	36524_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.740	8.1540E-04
489	26100	Entrez Gene	WIP49様タンパク質2	32844_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.727	9.4700E-03
490	11311	Entrez Gene	液胞タンパク質ソニンゲン45A(酵母)	38036_at	Day 0 Peri/ Day 0 Intra	0.729	4.9732E-03
491	3916	Entrez Gene	リソソーム膜タンパク質1	33392_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.731	6.9435E-03
492	23020	Entrez Gene	活性化シグナルトランスダクター1複合体サブユニット3様1	35779_at	Day 0 Peri/ Day 0 Intra	0.731	7.1397E-03
493	10473	Entrez Gene	高移動度群スクレオソーム結合ドメイン4	39758_f_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.732	1.6743E-03
494	10075	Entrez Gene	HECT, UBAおよびWWドメイン含有1	41224_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.732	7.2017E-03
495	5812	Entrez Gene	シンタシン結合タンパク質1	35738_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.732	4.8156E-03
496	23511	Entrez Gene	スクレオソーム188kDa	34374_g_at	Day 0 Intra/ Day 0 Peri	0.733	2.9876E-03
497	HG2238- HT232	The Institute for Genomic Research		34372_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.802	9.1907E-03
498	283638	Entrez Gene	KUAA0284	33942_s_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.734	2.7333E-03
499	30968	Entrez Gene	ストマジン(EPB72)様2	32544_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.735	1.7224E-03
500	23259	Entrez Gene	DDHD1タンパク質含有2	329_s_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.736	9.9413E-03
501	10634	Entrez Gene	増殖停止特異的2様1	38592_s_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.736	1.6693E-03
502	3420	Entrez Gene	インクエン酸脱水素酵素3(NAD+)β	34380_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.786	5.7373E-03
503	10424	Entrez Gene	プロカステロノ受容体膜成分2	35177_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.736	6.0626E-03
				31874_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.736	6.5771E-03
				31874_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.737	7.5700E-05
				40111_g_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.791	1.9327E-03
				38821_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.737	9.0628E-03
				38821_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.738	3.9496E-03
				38821_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.746	7.1002E-03

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
504	8531	Entrez Gene	低温ショック・メインタンパク質A	39839_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.738	8.5534E-03
505	5439	Entrez Gene	ポリラゼ(RNAⅢ)(DNA指向性)ポリペプチド, 13.3kDa	1485_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.740	2.7928E-03
506	10929	Entrez Gene	スプラインシグ因子、アルキニン/セリンリッチ、46kD	1486_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.772	1.7983E-03
507	6227	Entrez Gene	リボソームタンパク質S21	32038_s_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.740	6.3052E-03
508	6169	Entrez Gene	リボソームタンパク質L38	32744_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.740	7.2902E-03
509	51304	Entrez Gene	ジクファインガ、DHHC型含有3	34085_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.743	6.3557E-03
510	6218	Entrez Gene	リボソームタンパク質S17	39751_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.744	7.7468E-03
511	9540	Entrez Gene	腫瘍タンパク質p53誘導タンパク質3	34592_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.745	2.8146E-03
512	1327	Entrez Gene	シクロムオキシゲナーゼサブユニットIVアイソフォーム1	36079_at	Day 3 Peri/ Day 3 Intra	0.746	6.1335E-03
513	10541	Entrez Gene	酸性(ロイシンリッチ)核リン酸化タンパク質32777、 マンハ-B	39027_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.746	6.3689E-03
514	3030	Entrez Gene	ヒドロキシアシルCoA脱水素酵素/3-オクトアシル- CoAオラセ/エリルCoA加水酵素 (三機能タンパク質)	38479_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.747	1.6161E-03
515	23379	Entrez Gene	KJAA0947タンパク質	35952_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.750	6.1291E-03
516	3032	Entrez Gene	ヒドロキシアシルCoA脱水素酵素/3-オクトアシル- CoAオラセ/エリルCoA加水酵素 (三機能タンパク質)	36952_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.835	2.4582E-03
517	5223	Entrez Gene	ホスホグリセリン酸ムタゼ1(脳)	41995_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.751	2.7370E-03
518	10638	Entrez Gene	S期応答(サイクリン関連)	39741_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.752	1.6814E-03
519	9215	Entrez Gene	グリコシルトランスフェラーゼ様	1685_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.754	1.2093E-03
520	10572	Entrez Gene	CD27結合(Siva)タンパク質	41346_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.754	4.1376E-03
521	10241	Entrez Gene	核・メイン10タンパク質	38020_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.754	9.5129E-03
				40053_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.755	7.5513E-03

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
522	162427	Entrez Gene	仮想タンパク質LOC162427	38423_at	Day 0 Peri/Day 0 Control	0.755	7.1257E-03
				38423_at	Day 3 Peri/Day 0 Peri	0.845	2.2722E-03
523	10036	Entrez Gene	クロマチン構築因子1, サブユニットA(p150)	38423_at	Day 7 Peri/Day 0 Peri	0.848	1.7317E-03
524	6202	Entrez Gene	リボソームタンパク質S8	32589_at	Day 7 Peri/Day 7 Extra	0.756	2.8970E-03
525	55218	Entrez Gene	第14染色体オランディンクフレーム114	31583_at	Day 7 Peri/Day 0 Peri	0.756	8.6210E-03
526	1955	Entrez Gene	EGF様ドメイン, スルチブル5	36283_at	Day 0 Peri/Day 0 Control	0.759	7.7904E-04
527	9724	Entrez Gene	UTP14, U3核内低分子リボスクレオタンパク質, ホモログC(酵母)	36488_at	Day 3 Intra/Day 0 Intra	0.758	7.4685E-03
528	25003	Entrez Gene	ゴルジ再構築スキャンタンパク質2, 55kDa	39405_at	Day 0 Peri/Day 0 Intra	0.760	3.9078E-03
529	56829	Entrez Gene	ジンクフィンガ- COOH型, 抗ウイルス1	35805_at	Day 3 Peri/Day 0 Peri	0.761	2.3291E-04
530	4501	Entrez Gene	MAXインタラクタ-1	35882_at	Day 7 Peri/Day 0 Peri	0.770	2.6315E-03
				39072_at	Day 3 Peri/Day 3 Control	0.781	2.0789E-04
531	6293	Entrez Gene	液胞タンパク質ソテイング52(酵母)	654_at	Day 3 Intra/Day 0 Intra	0.782	4.0454E-03
				39072_at	Day 7 Peri/Day 0 Peri	0.783	5.2959E-03
532	1998	Entrez Gene	E74様因子2(etsドメイン転写因子)	32658_at	Day 3 Peri/Day 0 Peri	0.839	6.8595E-03
				32658_at	Day 0 Peri/Day 0 Control	0.762	7.4217E-03
533	10067	Entrez Gene	分泌担体膜タンパク質3	507_s_at	Day 7 Peri/Day 0 Peri	0.858	6.8088E-03
534	5437	Entrez Gene	ホリラセ(RNA)(DNA指向性)ホリラセH	32789_at	Day 7 Intra/Day 0 Intra	0.763	4.9954E-03
535	6203	Entrez Gene	リボソームタンパク質S9	35531_at	Day 7 Peri/Day 0 Peri	0.763	8.9346E-03
536	55744	Entrez Gene	仮想タンパク質FLJ10803	35531_at	Day 3 Peri/Day 3 Extra	0.764	7.2289E-03
537	7693	Entrez Gene	ジニアインガンタンパク質134(クロノPHZ-15)	31511_at	Day 3 Peri/Day 3 Intra	0.772	5.4217E-03
538	5036	Entrez Gene	増殖関連2G4, 38kDa	37810_at	Day 7 Peri/Day 0 Peri	0.764	7.8708E-03
539	9249	Entrez Gene	デヒドロゲナーゼ/ルダクサセ(SDRファミリー)タンパク-3	36295_at	Day 3 Peri/Day 3 Extra	0.764	2.5200E-03
540	1337	Entrez Gene	シクロ酸素キナーゼサブユニットVlaホリラセ1	41600_at	Day 3 Intra/Day 0 Intra	0.764	9.8397E-03
541	23523	Entrez Gene	RUNおよびSH3ドメイン含有1	40782_at	Day 7 Peri/Day 0 Peri	0.765	6.8426E-03
542	8890	Entrez Gene	真核細胞細胞開始因子2B, サブユニット4, 67kDa	41206_f_at	Day 3 Peri/Day 0 Peri	0.765	6.4510E-03
				34254_at	Day 7 Peri/Day 0 Peri	0.766	1.7769E-03
				32659_at	Day 3 Peri/Day 3 Intra	0.768	9.1280E-03
					Day 3 Peri/Day 3 Control	0.768	8.3725E-03

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
543	203069	Entrez Gene	R3H1'メインおよびコイル'コイル含有1	35156_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.769	8.4083E-03
544	7529	Entrez Gene	チロシン3-モノキシゲナーゼ/トリプトファン5-モノキシゲナーゼ 活性化タンパク質、βホリペプ'ホ'	32324_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.769	5.4500E-03
545	23294	Entrez Gene	アンギリン反復およびスチライルαモチフト'メイン含有1	40871_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.768	7.4093E-03
				40971_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.796	3.4853E-03
546	29	Entrez Gene	活性BCR関連遺伝子	39058_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.771	7.8298E-03
				39058_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.766	8.8684E-03
547	1937	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子γ	1676_s_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.771	8.5875E-03
548	5636	Entrez Gene	ホスホリル'シルビ'リン酸合成酵素関連タンパク質2	41853_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.772	9.6928E-03
549	147179	Entrez Gene	WIREタンパク質	40787_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.772	8.5910E-04
550	9703	Entrez Gene	KIAA0100遺伝子産物	39783_at	Day 0 Intra/ Day 0 Peri	0.773	4.2046E-03
551	10294	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ、サブファミリーAメンバ-2	34201_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.775	2.1191E-03
552	9741	Entrez Gene	リソサムタンパク質膜貫通4α	39019_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.776	6.0768E-03
				39019_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.815	9.6992E-03
553	8480	Entrez Gene	RAE1 RNA輸出1ホモログ(S. pombe)	32757_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.778	1.2850E-03
554	10555	Entrez Gene	リボヌクレオセ'P/MRP 30kDaサブユニット	32758_g_at	Day 7 Peri/ Day 7 Intra	0.786	2.2519E-03
				39702_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.776	8.7433E-03
555	9562	Entrez Gene	マルチプル/シトル'リン酸ヒスチジンホスファターゼ、1	36325_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.779	8.9541E-03
556	9528	Entrez Gene	膜貫通タンパク質59	39033_at	Day 3 Intra/ Day 3 Control	0.779	8.8035E-03
557	5326	Entrez Gene	多形腺腫遺伝子様2	39033_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.787	2.6172E-03
558	3163	Entrez Gene	ヘムキナーゼ(チサイクリング)2	40061_at	Day 3 Intra/ Day 3 Peri	0.779	7.8774E-03
559	22864	Entrez Gene	KIAA1002タンパク質	37816_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.781	9.4119E-03
560	23307	Entrez Gene	KIAA0674	41366_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.781	8.7647E-03
				31826_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.783	2.4933E-03
561	670	Entrez Gene	ヒフェール加水分解酵素様(セリン加水分解酵素、乳腺上皮がん関連抗原)	40912_s_at	Day 0 Intra/ Day 0 Control	0.784	7.7779E-03
562	9903	Entrez Gene	ケルヒ様21(シヨウシヨウハ工)	37230_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.786	5.6275E-03
563	5236	Entrez Gene	ホスホグルコルト'メ'	37230_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.812	4.4808E-03
564	51780	Entrez Gene	ホスホグルコルト'メ'1 十文字ト'メイン含有1B	32210_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.789	7.7233E-03
				33870_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.789	5.0617E-03

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
565	2975	Entrez Gene	基本転写因子III $\alpha$ ,ホリハブド1, $\alpha$ 220kDa	35671_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.791	3.1660E-03
566	10956	Entrez Gene	骨肉腫増幅	35996_at 36986_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.791 0.818	9.0785E-03 8.2854E-03
567	1201	Entrez Gene	セロトリン5HT $\alpha$ 1A受容体, 神経型3, 若年性(ハッペン)シグナルトランスミター(ホリハブド)	497_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.792	5.8473E-03
568	56270	Entrez Gene	WDR45様	39185_at	Day 3 Intra/ Day 3 Control	0.792	6.7923E-03
569	527	Entrez Gene	ATP7B, プロトン輸送型, リソソーム型18kDa, VOサユニット	36994_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.794	8.6116E-03
570	8720	Entrez Gene	膜結合型転写因子ホリハブド1	36984_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.795	9.8019E-03
571	3151	Entrez Gene	高移動度群スクロニン結合ドメイン2	41231_f_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.796	7.6383E-04
572	286440	Entrez Gene	仮想タンパク質LOC28644	41231_f_at	Day 3 Peri/ Day 3 Intra	0.827	4.3201E-03
573	6136	Entrez Gene	リソソームタンパク質L12	41655_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.796	8.4134E-03
574	79073	Entrez Gene	仮想タンパク質MG508	33688_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.797	2.3409E-03
575	445	Entrez Gene	アルギニン/コリン/酸合成酵素	36983_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.797	7.6719E-03
576	11224	Entrez Gene	リソソームタンパク質L35	40541_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.799	7.5623E-03
577	11258	Entrez Gene	タイククシン(p22)	41785_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.800	6.9288E-03
578	4779	Entrez Gene	核因子(赤芽球由来2)様1	40410_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.808	6.4549E-03
579	149603	Entrez Gene	リンクインガンタンパク質187	38439_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.811	5.5209E-03
580	8818	Entrez Gene	トリキリン酸マンノシル転移酵素ホリハブド2, 調節サブユニット	39722_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.812	7.5346E-03
581	823	Entrez Gene	カルパイン1 (mu/1)大サブユニット	38726_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.814	3.7920E-03
582	5438	Entrez Gene	ホリハブド (RNA)II(DNA)指向性ホリハブド1, 14.5kDa	33908_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.815	9.2186E-03
583	6720	Entrez Gene	ステロイド制御領域結合転写因子1	34828_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.816	8.6878E-03
584	23633	Entrez Gene	カリオフェリン $\alpha$ 6(インボルチン $\alpha$ 7)	32135_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.819	6.4366E-03
585	7534	Entrez Gene	チロン3-モノキシンゲナーゼ/トリプトファン5-モノキシンゲナーゼ活性化タンパク質, $\zeta$ ホリハブド	40275_at 40275_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.824 0.847	1.6981E-03 5.5244E-03
				1235_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.824	9.9973E-03
				1235_at	Day 3 Peri/ Day 3 Intra	0.853	7.0175E-03

【 0 2 6 6 】

10

20

30

40

低下診断表1

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロファイルID	比較	倍率変化	P値
586	23481	Entrez Gene	pescadillo様ドメイン含有(セパラフィン)	41869_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.831	9.3865E-03
587	369	Entrez Gene	v-trafマウス肉腫3611ウイルス癌遺伝子ホモログ	1706_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.832	4.3502E-04
588	23	Entrez Gene	ATP結合カセット、サブファミリー(GCN20)、メンバー	39141_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.837	5.3611E-03
589	25966	Entrez Gene	第21染色体オプゾニン遺伝子ファミリー25	32107_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.845	5.8404E-03
590	23644	Entrez Gene	自己抗原	36670_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.866	7.3351E-03

【 0 2 6 7 】

10

20

30

40

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
1	4250	Entrez Gene	セクレトリン、ファミリー2A、メンバー2	36328_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.131	2.0793E-03
3	10647	Entrez Gene	セクレトリン、ファミリーD、メンバー2	32880_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.211	2.5582E-03
5	2167	Entrez Gene	脂肪細胞型脂肪酸結合タンパク質4	38430_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.219	8.7014E-03
8	9415	Entrez Gene	脂肪酸不飽和化酵素2	32190_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.365	8.5757E-03
11	553168	Entrez Gene	第1染色体オゾンリジンシグナル68	31326_at	Day 7 Peri/ Day 7 Control	0.138	7.6909E-03
13	125	Entrez Gene	アルコールデヒドロゲナーゼ1B(クラスD、βホリペプチド)	31326_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.214	6.7718E-03
14	3205	Entrez Gene	ホモホックスA9	31326_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.229	1.6500E-05
15	7136	Entrez Gene	トロポニン2型(速筋型)	31326_at	Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.288	7.6740E-03
17	6210	Entrez Gene	リボソームタンパク質S15a	31326_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.487	3.0725E-03
18	7123	Entrez Gene	C型肝炎ウイルスコアタンパク質3、メンバーB	35730_at	Day 0 Peri/ Day 0 Intra	0.252	5.3255E-03
20	AB011538	GenBank	CDNA/DNA IMAGE 5922621	37809_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.180	5.0202E-03
21	3131	Entrez Gene	肝白血因子	37809_at	Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.237	8.7426E-03
22	M57951	GenBank	UDPグルクロン酸転移酵素17ファミリー、ホリペプチドA10//UDPグルクロン酸転移酵素17ファミリー、ホリペプチドA8//UDPグルクロン酸転移酵素1ファミリー	37809_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.314	9.1991E-03
24	2053	Entrez Gene	細胞質エボキチ加水分解酵素2	38457_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.185	5.1425E-04
26	5271	Entrez Gene	セリンペプチダーゼ阻害剤、クレトB(オキアルブミン)、メンバー8	34316_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.241	3.8100E-05
28	10781	Entrez Gene	シシクタンタンパク質266	34316_at	Day 7 Peri/ Day 7 Control	0.432	2.3230E-04
				34316_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.476	1.6786E-04
				36569_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.356	1.8400E-05
				36569_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.428	5.8746E-04
				35324_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.447	1.3446E-04
				35324_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.623	4.2479E-03
				38827_at	Day 0 Peri/ Day 0 Intra	0.558	5.7849E-03
				32392_s_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.320	3.1014E-03
				41473_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.521	6.6949E-03
				36312_at	Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.331	4.7432E-04
				41821_l_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.350	5.4118E-04

10

20

30

40

**【 0 2 6 9 】**

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
29	4128	Entrez Gene	モアミ酸化酵素A	41772_at 41771_g_at 41772_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra Day 3 Peri / Day 3 Control Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.351 0.464 0.614	3.2109E-03 2.4030E-03 6.2007E-03
31	8483	Entrez Gene	軟骨中間層タンパク質、 スクレオチドヒドロキシルラーゼ	34985_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.354	4.8214E-04
34	10458	Entrez Gene	BA11結合タンパク質2	34985_at 37761_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.381 0.358	2.9109E-03 3.2292E-04
36	2273	Entrez Gene	41/2LMITメイン1	32542_at 32542_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.598 0.643	1.0604E-03 1.4304E-03
37	23016	Entrez Gene	エキソーム成分7	33294_at 33294_at	Day 0 Peri / Day 0 Control Day 3 Peri / Day 3 Control	0.369 0.453	2.9389E-04 3.7416E-04
38	23352	Entrez Gene	網膜芽細胞腫関連因子600	33860_at 33860_at 33860_at 33860_at	Day 0 Peri / Day 0 Control Day 3 Peri / Day 3 Control Day 7 Peri / Day 7 Control Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.369 0.374 0.452 0.549	5.2550E-04 1.4026E-03 4.0374E-03 5.8632E-03
39	7138	Entrez Gene	トロポニンT2型(運動型)	36113_s_at 36113_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control Day 3 Peri / Day 3 Control	0.371 0.452	5.4628E-03 4.3070E-03
42	10521	Entrez Gene	DEAD(Asp-Glu-Ala-Asp)ホックスポリペプチド17	36363_at 36363_at	Day 0 Peri / Day 0 Control Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.383 0.577	2.2472E-03 6.8649E-03
43	8710	Entrez Gene	セリンペンタリダーゼ阻害剤、クルトB(オホ7メ7メ3ミ)、メソバ-7	36577_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.385	4.8105E-04
44	2194	Entrez Gene	脂肪酸シタゼ	38429_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.512	8.4627E-03
45	3202	Entrez Gene	ホモホックスA5	873_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.387	6.1920E-03
46	54	Entrez Gene	酒石酸耐性酸性ホスファターゼ5	677_s_at 677_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.389 0.672	2.8442E-04 8.0184E-03
49	63920	Entrez Gene	肝細胞癌抗原遺伝子520	33007_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.394	7.4079E-03
50	5055	Entrez Gene	セリンペンタリダーゼ阻害剤、クルトB(オホアルブミン)、メソバ-2	37185_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.399	5.5226E-03
51	5354	Entrez Gene	プロテオリドタンパク質1(ペリツエウス・マルツバツヘル病、 痙性対麻痺2型、単純性)	41158_at 41158_at	Day 0 Peri / Day 0 Control Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.544 0.716	4.8737E-03 7.5707E-03

【 0 2 7 0 】

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
52	642	Entrez Gene	フルオロミシン加水分解酵素	394_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.404	0.8139E-03
				1532_g_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.406	9.9594E-04
53	10443	Entrez Gene	仮想遺伝子CG012	1532_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.567	4.1852E-03
				1532_g_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.560	5.2680E-03
54	224	Entrez Gene	アルデヒド脱水素酵素37アミノ-タンパク質-A2	40409_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.445	7.4233E-03
55	90834	Entrez Gene	仮想遺伝子CG018	1527_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.410	2.0450E-03
				1527_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.515	2.5140E-03
56	1675	Entrez Gene	補体因子D(アジピン)	40282_s_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.410	3.2238E-03
57	23242	Entrez Gene	コリン・フルホモド(マウス)	35669_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.543	1.1342E-03
				35669_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.585	1.2820E-03
58	10158	Entrez Gene	PDZK1結合タンパク質1	31610_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.421	4.1131E-03
59	10001	Entrez Gene	RNAポリメラーゼII転写メディエーター、サブユニット6ホモログ(酵母)	35430_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.427	4.0549E-03
60	97	Entrez Gene	アシノスファタゼ1、赤血球型(一般型)	33334_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.427	3.3326E-03
63	51097	Entrez Gene	サッカロシ脱水素酵素(推定)	34663_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.430	9.0435E-03
64	2217	Entrez Gene	IgGFcフラグメント、受容体、トランスボーター、α	31431_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.430	7.9132E-04
65	1983	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子5	167_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.431	3.2376E-04
				167_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.519	7.0199E-03
66	51601	Entrez Gene	リト酸転移酵素1	37441_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.432	3.4529E-03
70	2618	Entrez Gene	ホスホリホシルグリシンアミドホリミルトランスフェラーゼ、ホスホリホシルグリシンアミドシンターゼ、ホスホリホシルアミノイミダゾールシンターゼ	38364_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.436	8.9104E-03
71	HG3570-HT377	The Institute for Genomic Research	...	936_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.437	1.3929E-04
				936_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.554	6.0651E-03
				936_s_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.679	6.6192E-03
72	53335	Entrez Gene	B細胞C11/L11A 糖11A(シグナルインガンタンパク質)	41356_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.438	5.3163E-03

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	70-71 ID	比較	倍率変化	P値
74	8905	Entrez Gene	アタタタンパク質複合体1、γ2サブユニット	38798_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.441	6.9369E-03
77	9524	Entrez Gene	糖タンパク質、シグナル2	38965_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.480	6.4090E-03
78	91137	Entrez Gene	仮想タンパク質BC017169	38966_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.444	3.9851E-03
79	56288	Entrez Gene	par-3A テイコニンク欠陥3株モック (C. elegans)	38966_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.530	1.4148E-03
80	26154	Entrez Gene	ATP結合ドメイン、サブファミリーA(ABC1)、タンパク質	38966_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.614	2.1060E-03
81	280294	Entrez Gene	ウリアムスセクション症候群染色体領域20C	37178_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.449	3.9314E-03
82	1410	Entrez Gene	カスタリン、α B	40973_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.451	2.5668E-03
83	131544	Entrez Gene	仮想タンパク質DKFZp667G2110	31764_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.453	4.6700E-03
84	10733	Entrez Gene	ホロ様キナーゼ4(シグナル)カハエ	41258_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.453	3.7268E-03
86	10181	Entrez Gene	RNA結合モチタンク質5	32242_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.454	8.8596E-03
90	5924	Entrez Gene	転写伸長因子B(SM)、ホリパド3(110kDa、イロンキン)	41274_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.454	4.4963E-03
93	1152	Entrez Gene	クレアチンキナーゼ、脳	41274_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.589	7.8530E-03
94	10450	Entrez Gene	ヘプタシルプロリン異性化酵素E(シクロアリン)	975_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.459	4.3469E-03
95	HG1112- HT111	The Institute for Genomic Research	...	1566_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.460	1.4047E-03
97	4129	Entrez Gene	モアミシ酸化酵素B	32049_f_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.469	3.1908E-03
99	10314	Entrez Gene	LANGTシチオチンゲンチンセ成分C様(細菌)	40863_r_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.507	3.2271E-04
101	8532	Entrez Gene	カルホキシン、シグナル	34365_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.473	5.7231E-03
102	6038	Entrez Gene	リホスファターゼ、RN7セ/A7アミリ、4	34365_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.638	2.8273E-03
103	10924	Entrez Gene	スフィンゴリンホスホリステラセ酸様3A	1839_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.473	1.8274E-03
106	8634	Entrez Gene	RNA末端リボヌクレオチドメイ	1839_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.555	9.8116E-03
107	4163	Entrez Gene	大腸菌変異	37528_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.475	8.4099E-04
				39441_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.482	2.7694E-03
				37248_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.483	2.2125E-04
				37248_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.522	7.1260E-04
				32664_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.536	5.8524E-04
				32664_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.681	3.6796E-03
				39960_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.483	8.6125E-03
				35195_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.489	1.6326E-03
				35551_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.606	7.2171E-03

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
108	7262	Entrez Gene	フレックストリンホモジーン様ドメイン、ファミリーA、メンバー2	31888_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.490	4.0424E-03
109	26039	Entrez Gene	第18染色体滑膜肉腫転座遺伝子様1	31903_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.493	1.3274E-03
110	1525	Entrez Gene	コガキキウイルス・アデノウイルス受容体	37534_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.493	7.3178E-03
112	11072	Entrez Gene	二重特異性ホスファターゼ14	38272_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.494	1.4839E-03
				38327_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.497	4.4983E-04
113	6490	Entrez Gene	シルバ・ホモログ(マウス)	38327_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.512	5.3833E-04
				38327_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.710	9.2082E-03
115	4176	Entrez Gene	MCM7ニコモソム維持欠陥7(S. cerevisiae)	947_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.498	7.8436E-04
116	2197	Entrez Gene	普遍的発現Finkel-Biskis-Reillyマウス肉腫ウイルス(FBR-MuSV)(Fox由来)ホスホタンパク質S30	31955_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.488	8.3003E-03
118	4898	Entrez Gene	サルジリジン(二塩基性N-アルギニン変換酵素)	34787_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.499	2.8275E-03
119	6662	Entrez Gene	SRV(性決定領域)ホモログ9(屈曲肢異形成症、常染色体逆性)	33436_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.500	5.3219E-03
120	2114	Entrez Gene	vets赤芽球症ウイルスE26極遺伝子ホモログ2(トリ)	38738_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.501	4.4662E-03
121	1158	Entrez Gene	ウレアチンキナーゼ、筋肉	32486_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.501	6.1425E-03
123	1573	Entrez Gene	シクロP450、ファミリー2、サブファミリーJ、ホリヘンチド2	501_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.505	2.0051E-03
129	9833	Entrez Gene	母体胎芽ロインジッパキナーゼ	36847_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.510	9.6404E-03
130	U18300	GenBank	損傷特異的DNA結合タンパク質2、48kDa/// 'LJMホモホックス3	1243_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.511	4.6848E-04
				1243_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.556	6.7443E-03
				1243_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.749	8.6022E-03
				40461_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.788	3.2244E-03
131	23051	Entrez Gene	シンクフィングおよびホモホックス3	36329_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.513	1.8894E-03
132	51706	Entrez Gene	シクロP450、ファミリー2、サブファミリーJ、ホリヘンチド2	36831_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.517	3.1103E-03
136	2013	Entrez Gene	上皮膜タンパク質2	36831_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.629	5.1967E-04

【 0 2 7 2 】

10

20

30

40

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
137	B1563	Entrez Gene	第1染色体オプテリニングフレーム21	41679_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.517	1.2344E-03
138	1638	Entrez Gene	トバコロ互変異性酵素 (トバコロデルタリグラーゼ、チロシン関連タンパク質2)	41679_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.607	8.6951E-03
141	57613	Entrez Gene	KIAA1467タンパク質	41182_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.596	1.9071E-04
142	2647	Entrez Gene	リソソーム関連オルガネラ複合体1、サブユニット1の生合成	41826_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.520	5.9389E-03
				39133_at	Day 7 Peri/ Day 7 Control	0.520	1.5729E-03
144	AF098870	GenBank	3要素モチ子含有16///3要素モチ子含有16類似; エストロゲン応答Bホックスタンパク質	38881_l_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.521	1.0548E-04
146	4968	Entrez Gene	8-オキソリグアニンDNAグリコラーゼ	38335_at	Day 0 Peri/ Day 0 Intra	0.759	8.2179E-03
148	4713	Entrez Gene	NADHデヒドロゲナーゼ(ユビキノリンβサブコンプレックス, 7, 18kDa	35773_l_at	Day 7 Peri/ Day 7 Control	0.525	1.8840E-03
				35773_l_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.748	5.4735E-03
				35773_l_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.791	1.2691E-03
149	1396	Entrez Gene	システインリリッタンタンパク質(隔)	33232_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.526	3.2907E-04
				33232_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.595	1.5417E-03
150	771	Entrez Gene	炭酸脱水酵素XII	36454_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.528	3.3461E-03
				36275_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.650	2.6445E-03
151	55187	Entrez Gene	液胞タンパク質ソニング13D(酵母)	32743_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.819	1.5280E-03
				32743_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.772	6.0079E-03
152	498	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、 ミトコンドリアF1複合体、αサブユニット、アインゾム1、 心筋	40096_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.527	6.5302E-03
				40096_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.563	2.0338E-04
154	242	Entrez Gene	アラキドン酸12-リホキシナーゼ、12R型	33029_at	Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.530	9.3336E-03
156	5985	Entrez Gene	複製因子C(活性化因子1)5、36.5kDa	653_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.533	6.1850E-03
157	26610	Entrez Gene	伸長タンパク質4ホモログ(S. cerevisiae)	38347_at	Day 0 Peri/ Day 0 Intra	0.533	6.3391E-03

【 0 2 7 3 】

10

20

30

40

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
159	5110	Entrez Gene	タンパク質L-リギン酸(D-アスパラギン酸)O-アシル基転移酵素	37738_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.678	3.6789E-03
160	113146	Entrez Gene	第14染色体オナゾリジンイグフレム78	36497_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.535	3.4244E-03
165	10124	Entrez Gene	ADPリホシル化因子様4	36497_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.545	2.9700E-05
166	10653	Entrez Gene	セルリンペプターゼ阻害剤、クニツタイフ、2	33796_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.577	3.7100E-05
167	10434	Entrez Gene	リゾホスホリルゼン	33796_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.537	6.8833E-03
169	123	Entrez Gene	脂防分化関連タンパク質	34348_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.537	9.4449E-03
170	80308	Entrez Gene	Fad1, フラビンアデニンジヌクレオチドシンターゼ、ホモログ(酵母)	34348_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.573	7.9326E-03
173	23345	Entrez Gene	スベクトリン反復含有、核膜1	39396_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.541	7.9687E-03
175	80208	Entrez Gene	仮想タンパク質FU21439	34378_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.542	1.2411E-03
176	202	Entrez Gene	absent in melanoma 1	39074_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.544	3.5087E-04
178	5268	Entrez Gene	セルリンペプターゼ阻害剤、クレトB(ホモアルブミン)、メンバ-5	38113_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.546	1.8607E-03
179	5268	Entrez Gene	セルリンペプターゼ阻害剤、クレトB(ホモアルブミン)、メンバ-5	40615_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.546	5.1650E-03
179	1474	Entrez Gene	シスチンE/M	32112_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.547	1.9891E-03
180	9927	Entrez Gene	ミトコンドリア	862_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.548	8.5245E-03
182	2145	Entrez Gene	zesteのエンハンサホモログ1(ショウジョウハエ)	862_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.576	5.9941E-03
183	2959	Entrez Gene	基本転写因子IIB	33128_s_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.549	1.9072E-03
				33128_s_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.605	2.6588E-03
				34368_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.549	2.5016E-03
				34369_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.635	6.4361E-03
				32259_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.593	1.0957E-03
				1070_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.566	4.5246E-03

【 0 2 7 4 】

10

20

30

40

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトコル	比較	倍率変化	P値
185	4736	Entrez Gene	リボソームタンパク質L10a	36786_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.556	7.2273E-04
				36786_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.592	1.4203E-03
				36786_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.622	8.0958E-04
				36786_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.688	3.0374E-03
				36786_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.783	1.0376E-03
186	644	Entrez Gene	ヒリルジンシクタンセA	32618_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.557	3.0605E-04
				32618_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.620	3.2950E-04
				32618_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.677	7.9770E-03
187	9665	Entrez Gene	limkain b1	32618_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.702	5.1159E-03
				31935_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.558	3.7112E-03
188	3033	Entrez Gene	L-3-ヒドロキシルCoAデヒドロゲナーゼ、短鎖	35435_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.558	7.5277E-03
				35435_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.692	5.5220E-03
190	55651	Entrez Gene	核小体タンパク質ファミリーA、サブ2 (H/ACA核小体低分子RNA)	41322_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.559	1.2634E-03
191	11336	Entrez Gene	SEC6様1(S. cerevisiae)	37597_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.560	4.7635E-03
				37597_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.566	9.6420E-04
192	7009	Entrez Gene	精巣増強遺伝子転写産物(BAXインビター)	33986_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.560	1.0937E-03
				33986_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.582	8.2347E-04
193	23107	Entrez Gene	ミコトリアリホソムタンパク質S27	39377_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.561	3.7750E-03
				39377_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.571	9.8955E-03
194	50	Entrez Gene	アノキセ2、ミコトリア型	39377_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.534	8.8004E-03
195	2746	Entrez Gene	クルタシ酸デヒドロゲナーゼ1	160044_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.562	5.6984E-03
				31691_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.563	6.9886E-03
197	6477	Entrez Gene	セリン-イン-アブセンチアホモログ1(ショウジョウハエ)	32161_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.565	2.8625E-03
198	6166	Entrez Gene	リボソームタンパク質L36a様	39856_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.568	7.8476E-03
199	7175	Entrez Gene	転座プロモータ領域活性化したMET遺伝子への	421_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.569	3.6369E-03
201	171546	Entrez Gene	第14染色体オプティミザイングフレーム147	33399_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.571	4.5866E-03
202	10553	Entrez Gene	HIV-1 Tat結合タンパク質2.30kDa	38824_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.571	7.2789E-03
				38824_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.592	5.7073E-03

10

20

30

40

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
203	115817	Entrez Gene	デヒドロゲナーゼ/レダクターゼ(SDRファミリー)メンバー	39103_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.571	2.1724E-04
204	25813	Entrez Gene	ソテングおよびアセブリン機構成分50ホモログ (S. cerevisiae)	39103_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.601	5.7200E-03
205	25863	Entrez Gene	DKFZP564G2022タンパク質	34845_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.572	1.2889E-03
206	1212	Entrez Gene	クラスリン、軽鎖ホリファクト(Lob)	40437_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.572	3.2143E-03
207	1652	Entrez Gene	D+ハクドム互変異性酵素	32523_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.573	4.0809E-03
208	27335	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3, サブユニット12	374_f_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.573	7.7105E-03
209	217	Entrez Gene	アルデヒド脱水素酵素27アミル(ミトコンドリア型)	31492_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.574	7.4544E-04
210	10049	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ, サブファミリーB, メンバー6	32747_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.574	5.1549E-04
212	8623	Entrez Gene	アセチルセロトニン-O-メチルトランスフェラーゼ様	32747_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.741	2.411E-03
213	108611	Entrez Gene	オルファクトジン様2A	41234_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.577	3.8743E-03
214	11066	Entrez Gene	U11/U12 snRNP 35K	36553_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.710	1.0994E-04
215	9936	Entrez Gene	CD302抗原	38312_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.719	4.2489E-04
216	4729	Entrez Gene	NADHデヒドロゲナーゼ(ユビキノン)フラボタンパク質2, 24kDa	41029_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.580	1.0146E-03
217	987	Entrez Gene	LPS応答性小胞輸送, ビンチおよびアノカ含有	34760_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.580	5.4849E-04
218	128	Entrez Gene	アルコルデヒドロゲナーゼ5(クラスIII), Xホリファクト	34893_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.581	9.2931E-03
220	7295	Entrez Gene	チロレキシン	34893_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.600	1.3243E-03
222	10980	Entrez Gene	COP9構成的光形態形成ホモログサブユニット6 (Arabidopsis)	35371_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.582	1.9359E-03
223	2621	Entrez Gene	増殖停止特異的6	35371_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.618	2.4693E-03
224	831	Entrez Gene	加ハスチン	37708_r_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.600	6.4350E-03
				39992_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.583	3.0627E-03
				39992_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.573	4.8045E-03
				40138_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.584	6.5865E-03
				1597_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.689	5.8701E-03
				41257_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.700	3.4819E-03

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
228	645	Entrez Gene	ヒルペルシレンダクターゼB(アデニン三リン酸依存性(NADPH))	37002_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.588	8.3451E-04
229	8581	Entrez Gene	リンパ球抗原6複合体D遺伝子座	36284_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.589	9.2936E-03
230	AB006780	GenBank	レクチンガラクトシド結合性、可溶性、3(カレクチン3)///カレクチン3内在遺伝子	35367_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.683	4.0159E-04
				35367_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.763	8.3297E-03
231	6929	Entrez Gene	転写因子3(E2A免疫グロブリンエンハンサ結合因子 E12/E47)	1373_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.738	3.1310E-04
232	10476	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、ミトコンドリアF0複合体、サブユニットd	35760_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.590	1.5912E-03
				35760_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.738	8.9277E-03
233	7022	Entrez Gene	転写因子AP-2γ (活性化エンハンサ結合タンパク質 2γ)	40303_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.591	7.9662E-03
234	2806	Entrez Gene	グルタミン酸オキサロ酢酸アミド転移酵素2、ミトコンドリア型(アスパラギン酸アミド転移酵素2)	40764_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.591	2.0500E-03
235	23185	Entrez Gene	La1株核タンパク質ドメインファミリー、メンバー5	32586_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.591	3.7384E-03
				32586_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.685	8.4169E-04
				32586_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.782	5.1596E-03
237	708	Entrez Gene	補体成分1、qサブコンポーネント結合タンパク質	37668_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.591	6.3705E-03
238	81875	Entrez Gene	インターフェロン活性化エキソヌクレアーゼ遺伝子20kDa様2	40946_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.593	3.2988E-03
239	A032612	GenBank	エラセチン、(α)III核内低分子リボヌクレオタンパク質、ホリハブチドF	41403_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.593	2.1695E-03
				41403_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.674	9.8788E-04

10

20

30

40

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
240	26040	Entrez Gene	SET結合タンパク質1	34990_at 34990_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.593 0.711	3.4533E-04 9.8766E-03
241	8673	Entrez Gene	小胞結合膜タンパク質8(イントブリン)	32715_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.593	2.2624E-03
243	4255	Entrez Gene	O-6-メチルグアニン-DNAメチルトランスフェラーゼ	32715_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.628	1.3473E-03
245	6249	Entrez Gene	レスチン(Reed-Steinberg細胞発現中間径フィラメント結合タンパク質)	2061_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.594	5.4697E-03
246	11188	Entrez Gene	nischarin	34350_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.595	8.1420E-03
248	2547	Entrez Gene	チャイニスハスチ細胞における修復欠陥を補完するX線修復6(Ku自己抗原, 70kDa)	33915_at 33915_at	Day 0 Peri / Day 0 Control Day 3 Peri / Day 3 Control	0.595 0.647	3.7132E-03 6.0432E-03
249	545	Entrez Gene	毛細血管拡張運動失調症およびRad3関連	32766_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.597	8.7738E-04
250	4775	Entrez Gene	活性化T細胞核因子、細胞質性、カルシウム依存性3	37229_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.619	5.1548E-03
252	4790	Entrez Gene	B細胞のκ軽鎖ホリヘン遺伝子エンハンサーの核因子1(p105)(p105)	40822_at 40822_at	Day 0 Peri / Day 0 Control Day 3 Peri / Day 3 Extra Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.597 0.633 0.746	3.4027E-03 7.3198E-03 7.0070E-03
254	28135	Entrez Gene	SERPINE1 mRNA結合タンパク質1	1378_g_at 1378_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra Day 0 Peri / Day 0 Control	0.598 0.646	6.5881E-03 7.6400E-03
255	23234	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ、サブドメインC、タンパク質	40440_at 40440_at	Day 0 Peri / Day 0 Control Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.599 0.727	7.7405E-03 9.5681E-03
257	A1557912	GenBank	ミトコンドリア外膜トランスロカセ7ホモログ(酵母)/// 仮想タンパク質LOC201725	41569_at 39025_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra Day 7 Peri / Day 7 Control	0.599 0.716	4.9293E-03 2.2149E-03
258	4437	Entrez Gene	mutSホモログ3(大腸菌)	39025_at 1719_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.798 0.603	1.0424E-03 6.7926E-03
259	3550	Entrez Gene	IKサイトカイン、HLAIIβアンチジェンペプチド	218_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.606	4.9835E-04

10

20

30

40

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
260	5453	Entrez Gene	POU1F1, クラス3, 転写因子1	33075_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.606	4.5158E-03
262	363	Entrez Gene	アデニンホスホリボシルトランスフェラーゼ	34310_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.607	7.6231E-03
263	6427	Entrez Gene	スプライシング因子、アルギニン/セリンリッパ2	34310_at	Day 3 Peri/ Day 3 Intra	0.619	3.4883E-03
265	79703	Entrez Gene	仮想タンパク質FLJ22531	35111_s_at	Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.607	1.0792E-03
266	27292	Entrez Gene	シメアルデヒドトランスフェラーゼ	41804_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.608	1.1934E-04
267	54665	Entrez Gene	円形精子細胞塩基性タンパク質1	35883_at	Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.609	2.6811E-03
				37828_at	Day 0 Peri/ Day 0 Intra	0.626	4.8045E-03
268	513	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、ミトコンドリアF1複合体、δサブユニット	37982_s_at	Day 7 Peri/ Day 7 Control	0.611	6.2111E-03
269	AL050091	GenBank	グルタミン酸受容体、イオンチャネル型、N-メチル-D-アスパラギン酸様1A///GRINL1A結合タンパク質///グルタミン酸受容体、イオンチャネル型、N-メチル-D-α類似	35736_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.611	4.7952E-03
271	9349	Entrez Gene	リボソームタンパク質L23	32395_l_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.611	2.2508E-03
273	23090	Entrez Gene	シンクアインカタンパク質423	34850_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.613	2.6182E-04
275	10497	Entrez Gene	unc-13ホモログB(C. elegans)	40087_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.614	3.7491E-03
276	56967	Entrez Gene	第14染色体オプンリディングフレーム132	41837_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.614	6.2328E-04
276	56967	Entrez Gene	第14染色体オプンリディングフレーム132	41837_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.660	1.7553E-03
277	8560	Entrez Gene	変性精母細胞ホモログ1、脂質デサチュラーゼ(シロフィリンA I)	33337_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.614	8.5255E-03
				33337_at	Day 7 Peri/ Day 7 Control	0.626	3.0395E-03
				33337_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.690	1.2271E-03
278	10975	Entrez Gene	コヒキノールシクロクロム還元酵素、6.4kDaサブユニット	38451_at	Day 7 Peri/ Day 7 Control	0.614	8.2100E-05

10

20

30

40

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
278	10641	Entrez Gene	癌抑制遺伝子候補4	40497_at 40497_at	Day 0 Peri / Day 0 Control Day 3 Peri / Day 3 Control	0.614 0.555	9.7424E-03 1.1667E-04
280	8663	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3、サブユニット8、110kDa	34841_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.515	9.0352E-03
281	50717	Entrez Gene	WD反復ドメイン42A	34841_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.776	9.4126E-03
282	23392	Entrez Gene	KIAA0368	33623_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.516	2.9015E-03
285	23650	Entrez Gene	3要素モチーフ含有29	34414_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.844	5.3735E-03
286	8665	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子、サブユニット547kDa	1898_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.617	3.0138E-03
287	7203	Entrez Gene	シャペロニン含有TCP1、サブユニット3(Y)	32576_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.617	4.1660E-03
290	25797	Entrez Gene	グルタミル・プロテリノグロタンラスタゼ (グルタミル・ラスタゼ)	40774_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.617	6.5552E-03
291	5092	Entrez Gene	6-ヒドロキシ・プロテリノグロタンラスタゼ 肝細胞核因子1 $\alpha$ 二量体化補因子(TCF1)	33986_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.563	6.8919E-03
292	7818	Entrez Gene	細胞死関連タンパク質3	34352_at 1356_at	Day 7 Peri / Day 7 Control Day 3 Peri / Day 3 Intra Day 0 Peri / Day 0 Control	0.620 0.704 0.621	2.4354E-03 1.5862E-03 1.4788E-03
293	U05861	GenBank	7-ヒドロキシ・プロテリノグロタンラスタゼ、サブユニットC1 (ヒドロキシ・プロテリノグロタンラスタゼ1:20- $\alpha$ (3- $\alpha$ )- ヒドロキシ・プロテリノグロタンラスタゼ)///7-ヒドロキシ・ プロテリノグロタンラスタゼ	34352_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.621	6.7226E-03
294	23063	Entrez Gene	KIAA0261	32805_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.823	5.5939E-03
295	9529	Entrez Gene	BCL2関連タンパク質5	40086_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.824	7.6918E-03
296	57147	Entrez Gene	SCY1様(S. cerevisiae)	41329_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.824	2.9063E-03
298	10289	Entrez Gene	翻訳開始因子sub1様タンパク質	33351_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.624	5.2711E-04
299	9536	Entrez Gene	7-ヒドロキシ・プロテリノグロタンラスタゼ	33131_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.826	9.0721E-03
300	22883	Entrez Gene	カルシニン	41498_at 41498_at	Day 3 Peri / Day 3 Control Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.626 0.777	9.2124E-04 3.9252E-03

10

20

30

40

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
301	7520	Entrez Gene	チャイニースラムスター細胞における修復欠陥を補完するX線修復5(二本鎖切断修復;Ku自己抗原、80kDa)	2093_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.827	1.0646E-03
303	4928	Entrez Gene	スリコホリン98kDa	38733_at 38911_at	Day 0 Peri / Day 0 Control Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.844 0.627	9.6568E-03 2.3405E-03
304	3290	Entrez Gene	ヒドロキシプロピト(11-β)脱水素酵素1	35702_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.828	6.5442E-03
305	23351	Entrez Gene	KIAA0323	32592_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.628	8.9436E-04
306	2065	Entrez Gene	v-erbB2赤芽球性白血病ウイルス癌遺伝子ホモログ3(Nrj)	2089_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.629	5.0250E-03
307	10217	Entrez Gene	CTD(カルボキシル末端ドメイン、RNAポリマラーゼII、ポリペプチドA)スカルホスファターゼ様	32787_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.677	7.5081E-03
308	23658	Entrez Gene	LSM5ホモログ、U6核内低分子RNA結合(S. cerevisiae)	40196_at 40196_at	Day 3 Peri / Day 3 Control Day 7 Peri / Day 0 Peri Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.630 0.735 0.770	3.3471E-03 2.0122E-03 5.2302E-03
309	W25948	GenBank	完全長インサートcDNAYH77E09	34270_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.631	1.9266E-03
311	4681	Entrez Gene	神経芽細胞腫、腫瘍抑制1	37161_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.631	4.5494E-03
314	6209	Entrez Gene	リボソームタンパク質S15	37161_at 37005_at	Day 3 Peri / Day 3 Control Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.640 0.842	6.9170E-03 1.7449E-03
316	8824	Entrez Gene	カルボキシルシラセ2(腸、肝臓)	37005_at 39916_f_at 39916_f_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri Day 7 Peri / Day 7 Control Day 3 Peri / Day 3 Control	0.695 0.633 0.675	2.4042E-03 1.4156E-03 7.7101E-03
317	10961	Entrez Gene	小胞体タンパク質29	40882_at	Day 7 Peri / Day 7 Intra	0.635	9.8901E-03
318	7265	Entrez Gene	リボソームタンパク質反復ドメイン1	36945_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.635	9.2309E-04
321	6128	Entrez Gene	リボソームタンパク質L6	37321_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.635	7.5603E-03
322	5245	Entrez Gene	プロセチン	31852_at 36592_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.637 0.637	8.7667E-03 3.4444E-03

低下診断-表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
323	9296	Entrez Gene	ATP7B, プロトン輸送型、リソソーム型14kDa, V1サブユニット	37385_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.638	2.2448E-03
				37395_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.722	8.6817E-04
				37395_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.810	7.4746E-03
				37395_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.840	4.0330E-03
324	1340	Entrez Gene	シトクロムcオキシゲナーゼサブユニットbポリペプチド(Cytc b)	40872_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.638	1.3105E-03
325	1891	Entrez Gene	ミトコンドリア加水酵素1, ヘルミキソソーム型	32756_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.638	8.7087E-03
326	1632	Entrez Gene	トランスフェリンA δ 異性化酵素 (3,2トランスエリトリンA異性化酵素)	37982_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.639	2.3722E-03
327	1933	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1β2	35748_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.639	7.5265E-04
328	6141	Entrez Gene	リソソームタンパク質L18	31548_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.639	6.9963E-03
				31546_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.691	6.7124E-03
				31546_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.760	9.8180E-03
330	5950	Entrez Gene	複合体1	34791_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.640	3.7040E-03
331	29760	Entrez Gene	B細胞リガ	38242_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.640	7.2677E-04
332	573	Entrez Gene	BCL2関連アジニ	34798_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.642	4.4022E-03
333	2709	Entrez Gene	キヤプジン/シグナルタンパク質、β5(コネキシン31.1)	38903_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.643	1.7987E-03
335	11083	Entrez Gene	細胞死関連転写因子1	32045_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.644	6.8658E-03
336	10247	Entrez Gene	熱応答性タンパク質12	32173_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.645	6.3967E-03
338	899	Entrez Gene	サイクリンF	35907_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.659	6.9500E-03
339	HG162- HT3165	The Institute for Genomic Research			Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.646	8.5538E-03
340	6139	Entrez Gene	リソソームタンパク質L17	1278_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.647	6.0118E-03
				32440_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.647	6.1617E-03
341	9521	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1ε1	40587_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.697	4.8558E-04
				40587_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.718	6.3530E-03

低下診断表2

遺伝子番号、公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
342	Entrez Gene	CCAAT/インハンサ結合タンパク質(C/EBP)	38219_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.647	8.7653E-03
343	Entrez Gene	ジンクフィンガータンパク質185(LIMF14)	32139_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.648	5.7560E-03
344	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3、サブユニット7、66/67kDa	35298_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.649	2.0160E-03
345	Entrez Gene	WD反復ドメイン18	35983_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.651	3.7360E-03
346	Entrez Gene	リボソームタンパク質S2	31527_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.651	6.9801E-03
347	Entrez Gene	小胞体におけるRER1保留1体モグ (S. cerevisiae)	41551_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.651	8.1132E-03
348	Entrez Gene	嗅覚受容体、ファミリー2、サブファミリー、メンバー	31821_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.652	2.1176E-03
349	Entrez Gene	リボソームタンパク質S12	33117_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.652	2.4740E-03
350	Entrez Gene	KIAA0174	36942_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.653	5.6656E-03
351	Entrez Gene	転写因子BTF3様モグ類似3	31519_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.653	9.2891E-03
353	Entrez Gene	腫瘍関連カルシウムシグナルトランスデュサー2	291_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.654	9.5683E-03
			291_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.655	8.7414E-03
354	Entrez Gene	トポイソメラーゼ(DNA)偽遺伝子2	31680_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.654	8.0454E-03
355	Entrez Gene	骨髄系分化一次応答遺伝子(88)	38369_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.654	5.5186E-03
357	Entrez Gene	シクロオキシゲナーゼサブユニットVa	41223_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.656	7.0969E-03
358	Entrez Gene	ユビキリノリドシクロオキシゲナーゼ、リノール酸代謝因子1	34401_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.656	5.8159E-03
359	Entrez Gene	NAD(P)H脱水素酵素、キノ2	36880_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.657	7.2935E-03
362	HG1980-HT202 The Institute for Genomic Research	...	956_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.658	8.0238E-03
364	Entrez Gene	ホリメラーゼ(DNA指向性)、ε 3(p17サブユニット)	38702_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.660	3.6355E-03
365	Entrez Gene	Cipカゼイン分解ヘフターゼ、ATP依存性、タンパク質分解サブユニットモグ(大腸菌)	32628_at	Day 7 Peri / Day 7 Intra	0.661	7.3475E-03

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
367	51690	Entrez Gene	LSM7-ED7, U6核内低分子RNA結合(S. cerevisiae)	36946_s_at	Day 7 Peri/ Day 7 Control	0.662	8.8105E-04
368	5935	Entrez Gene	RNA結合タンパク質4	35351_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.662	1.3875E-03
369	7004	Entrez Gene	TEAF-メインドメイン-4	41037_at	Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.662	6.4186E-04
370	3094	Entrez Gene	ヒスチジン三連環基ヌクレオチド結合タンパク質1	1009_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.662	6.3134E-03
372	10557	Entrez Gene	リボヌクレオチド P/MRP 38kDaサブユニット	1009_at	Day 3 Peri/ Day 3 Intra	0.704	8.1604E-03
373	25156	Entrez Gene	リボヌクレオチドメイン含有1	41040_at	Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.663	2.3436E-03
374	6122	Entrez Gene	リボヌクレオチドタンパク質L3	39418_at	Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.664	2.4392E-03
375	6176	Entrez Gene	リボヌクレオチドタンパク質L3	39418_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.730	4.3297E-03
378	10014	Entrez Gene	リボヌクレオチドタンパク質L3	31722_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.665	8.4932E-03
379	10610	Entrez Gene	リボヌクレオチドタンパク質L3	31722_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.792	9.5624E-03
380	10662-HT562	The Institute for Genomic Research	ST6( $\alpha$ -N-アセチル-イリドニル-2,3- $\beta$ -ガラクトシル-1,3)-N-アセチル-ガラクトサミン- $\alpha$ -2,6-シリアルランスマン- $\alpha$ -2	31957_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.666	3.7416E-03
381	10694	Entrez Gene	シヤヘロン含有TCP1,サブユニット8(8)	38810_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.667	1.7702E-04
383	4856	Entrez Gene	腎臓細胞腫過剰発現遺伝子	38810_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.778	7.8739E-03
384	9314	Entrez Gene	クルッセル様因子4(消化管)	38810_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.784	9.3572E-04
385	4694	Entrez Gene	NADHデヒドロゲナーゼ(ユビキリン) $\alpha$ サブユニット、1.75kDa	34593_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.668	5.8340E-04
386	10904	Entrez Gene	膀胱癌関連タンパク質	1151_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.669	1.5560E-03
388	10682	Entrez Gene	エモミル結合タンパク質(ステロイドイソラセ)	39767_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.669	4.6792E-03
389	10682	Entrez Gene	エモミル結合タンパク質(ステロイドイソラセ)	39250_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.670	5.1134E-03
390	10682	Entrez Gene	エモミル結合タンパク質(ステロイドイソラセ)	36214_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.670	7.5246E-03
391	10682	Entrez Gene	エモミル結合タンパク質(ステロイドイソラセ)	36169_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.671	5.5310E-04
392	10682	Entrez Gene	エモミル結合タンパク質(ステロイドイソラセ)	36169_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.706	1.3204E-03
393	10682	Entrez Gene	エモミル結合タンパク質(ステロイドイソラセ)	36169_at	Day 7 Peri/ Day 7 Control	0.710	9.3036E-03
394	10682	Entrez Gene	エモミル結合タンパク質(ステロイドイソラセ)	36169_at	Day 3 Peri/ Day 3 Intra	0.754	3.5482E-03
395	10682	Entrez Gene	エモミル結合タンパク質(ステロイドイソラセ)	35266_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.815	4.1112E-03
396	10682	Entrez Gene	エモミル結合タンパク質(ステロイドイソラセ)	32536_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.672	3.7237E-03

10

20

30

40

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
389	8667	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3、サブユニット3γ、40kDa	35327_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.672	5.0560E-03
395	5441	Entrez Gene	ホリラゼ (RNA) (DNA指向性ホリラゼ) L7.6kDa	35841_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.576	2.4659E-03
396	2146	Entrez Gene	zesteホモログ インパルサー (ショウジョウバエ)	37305_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.577	5.6094E-03
398	2960	Entrez Gene	グルタチオンSトランスフェラーゼ π	37305_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.701	9.0063E-03
401	6156	Entrez Gene	リソソームタンパク質L30	33396_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.579	6.0285E-03
				33398_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.695	5.1049E-03
				31708_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.682	4.7648E-03
402	516	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、ミトコンドリア複合体、サブユニットc(サブユニット9)、アイソフォーム1	38076_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.682	3.2512E-04
403	9128	Entrez Gene	PRP4mRNA前駆体プロセッシング因子4ホモログ (酵母)	37936_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.682	1.2100E-03
				37938_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.809	4.3656E-03
404	3028	Entrez Gene	ヒドロキシシアルコA脱水素酵素、II型	40778_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.683	9.5528E-03
				40778_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.687	5.4834E-03
				40778_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.700	6.7401E-03
				40778_at	Day 7 Peri / Day 0 Peri	0.785	3.6408E-03
405	2961	Entrez Gene	基本転写因子IIE、ホリラゼ2、β34kDa	37295_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.683	5.1041E-03
406	10969	Entrez Gene	EBNA1結合タンパク質2	38135_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.683	7.3375E-03
407	6748	Entrez Gene	シグナル配列受容体、δ (トランスロコン関連タンパク質 δ)	38635_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.684	3.2000E-03
408	4610	Entrez Gene	v-myc骨髄芽球症ウイルス癌遺伝子ホモログ1、肺癌由来 (HL)	1490_at	Day 3 Peri / Day 0 Peri	0.684	2.9494E-04
410	23075	Entrez Gene	SWAP-70タンパク質	31859_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.684	5.9606E-03

10

20

30

40

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
411	1537	Entrez Gene	シクロLc-1	1180_at	Day 3 Peri/Day 3 Control	0.685	9.9616E-03
412	6768	Entrez Gene	腫瘍抑制14(結腸癌、ストリプタゼ、エピチン)	35309_at	Day 3 Peri/Day 3 Extra	0.685	2.8284E-03
413	6138	Entrez Gene	リボソームタンパク質L15	32433_at	Day 0 Peri/Day 0 Intra	0.686	4.8021E-03
415	64976	Entrez Gene	ミトコンドリアリボソームタンパク質L40	32745_at	Day 3 Peri/Day 3 Control	0.688	7.4413E-03
416	10420	Entrez Gene	精巢特異的キナーゼ2	33164_at	Day 7 Peri/Day 0 Peri	0.688	8.0384E-03
417	9759	Entrez Gene	ヒストンアセチラーゼ4	38271_at	Day 0 Peri/Day 0 Intra	0.776	6.2327E-03
418	4876	Entrez Gene	ヌクレオソーム集合タンパク質1様4	32575_at	Day 3 Peri/Day 3 Control	0.689	7.9600E-05
				32575_at	Day 3 Peri/Day 3 Intra	0.820	9.3028E-03
419	5425	Entrez Gene	ホリラーゼ(DNA指向性)、 $\delta$ 2、制御サブユニット50kDa	1470_at	Day 3 Peri/Day 3 Intra	0.689	5.7659E-03
420	6390	Entrez Gene	コハク酸脱水素酵素、サブユニットB、鉄硫黄(p)	35751_at	Day 3 Peri/Day 3 Extra	0.689	9.9046E-03
421	162	Entrez Gene	アタプタ関連タンパク質複合体1、 $\beta$ 1サブユニット	40745_at	Day 3 Peri/Day 3 Extra	0.689	1.6623E-03
423	6749	Entrez Gene	構造特異的認識タンパク質1	37739_at	Day 3 Peri/Day 3 Extra	0.690	4.8988E-03
424	4134	Entrez Gene	微小管結合タンパク質4	33850_at	Day 3 Peri/Day 0 Peri	0.690	9.2918E-04
				33850_at	Day 7 Peri/Day 0 Peri	0.747	8.7450E-03
425	6632	Entrez Gene	var1抑制因子、3様1(S. cerevisiae)	41408_at	Day 3 Peri/Day 3 Extra	0.691	6.4202E-03
426	10939	Entrez Gene	AFG3ATP7-ゼアフィリ遺伝子3様2(酵母)	34315_at	Day 3 Peri/Day 3 Extra	0.692	3.6562E-04
429	10670	Entrez Gene	シトクロムP450シナーゼ様4	39503_s_at	Day 7 Peri/Day 0 Peri	0.693	9.8616E-03
431	8337	Entrez Gene	ヒストン2、H2aa	286_at	Day 3 Peri/Day 3 Control	0.693	7.8013E-03
				32437_at	Day 3 Peri/Day 3 Extra	0.693	1.4584E-03
432	6193	Entrez Gene	リボソームタンパク質S5	32437_at	Day 7 Peri/Day 0 Peri	0.740	3.8984E-03
				32437_at	Day 3 Peri/Day 0 Peri	0.808	6.6422E-03
433	23492	Entrez Gene	クロモソームモログ7	36884_at	Day 3 Peri/Day 3 Control	0.693	8.8784E-03
				36884_at	Day 3 Peri/Day 0 Peri	0.742	1.6692E-03
434	4809	Entrez Gene	NHP2非ヒストン染色体タンパク質2様1(S. cerevisiae)	36884_at	Day 7 Peri/Day 0 Peri	0.742	3.4050E-03
				41746_at	Day 3 Peri/Day 3 Control	0.693	5.4886E-03

10

20

30

40

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
434	4809	Entrez Gene	NHP2非ヒストン染色体タンパク質2様1(S)	41746_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.830	6.1703E-03
436	79090	Entrez Gene	輸送タンパク質粒子複合体6A	36529_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.894	6.8032E-03
437	328	Entrez Gene	APEXスクリーン(多機能性DNA修復酵素)1	2025_s_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.895	4.8002E-03
438	84525	Entrez Gene	ネマトメイン単独タンパク質	2025_s_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.746	9.3963E-03
439	2549	Entrez Gene	GRB2関連結合タンパク質1	39698_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.695	8.7289E-03
440	533	Entrez Gene	ATP7A、プロトン輸送型、リソソーム型21kDa、VOサブリユニット	39997_at	Day 0 Peri/ Day 0 Intra	0.731	4.0375E-03
441	4717	Entrez Gene	NADHデヒドロゲナーゼ(ユビキリン)、サブコンプレックス未知、1、6kDa	36167_at	Day 7 Peri/ Day 7 Control	0.696	9.2513E-03
442	23385	Entrez Gene	ニコスリン	38485_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.696	2.0599E-03
445	4678	Entrez Gene	核内自己抗原精子タンパク質(ヒストン結合性)	34835_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.696	1.6857E-03
446	1647	Entrez Gene	二重特異性ホスファターゼ5	34835_at	Day 3 Peri/ Day 3 Intra	0.790	4.8084E-03
449	57017	Entrez Gene	第16染色体オプソニンリチングフレーム49	33255_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.696	9.0975E-03
452	539	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、ミトコンドリア複合体、Oサブユニット(オリマイシン感受性付与タンパク質)	529_at	Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.697	3.7478E-03
453	10542	Entrez Gene	B型肝炎ウイルス結合タンパク質	34810_at	Day 7 Peri/ Day 7 Control	0.700	1.2592E-03
455	694	Entrez Gene	B細胞転座相手遺伝子1、抗増殖性	34810_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.810	4.2261E-03
457	4174	Entrez Gene	MCM5ニ染色体維持文脈5、細胞分裂周期46(S. cerevisiae)	37029_at	Day 3 Peri/ Day 3 Intra	0.701	5.7342E-03
458	10278	Entrez Gene	胎児性Fyn結合基質	38054_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.704	9.1709E-03
				37294_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.704	5.5679E-03
				982_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.706	4.9235E-04
				33883_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.706	2.0000E-05
				33883_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.718	6.1275E-04

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロファイルID	比較	倍率変化	P値
459	593	Entrez Gene	分枝鎖外酸脱水素酵素E1、αホリパント (メーグルツプ原症)	37704_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.707	1.4728E-03
460	4357	Entrez Gene	メルカプトピリルン酸硫黄転移酵素	37704_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.720	1.7216E-03
461	3727	Entrez Gene	jun 癌遺伝子	36124_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.707	7.1339E-04
462	51635	Entrez Gene	テトリグナゼ/ルダクテゼ (SDR7/ミリトマンマ)	41483_s_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.707	9.7391E-03
463	22870	Entrez Gene	SAP-97/ミソアミリンマンマ	39814_s_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.708	6.9810E-03
464	22882	Entrez Gene	シンクイノガ およびホリホツクA2	39814_s_at	Day 3 Peri/ Day 3 Intra	0.740	6.8403E-03
465	613	Entrez Gene	切断点クスタ領域	36862_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.709	6.5040E-03
466	7150	Entrez Gene	トホインクテ (DNA)	41503_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.709	9.7700E-05
467	1329	Entrez Gene	シクロオキシゲナーゼサブユニットVb	41503_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.830	5.9812E-03
468	6888	Entrez Gene	トランスアミラーゼ1	34879_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.709	4.4827E-03
470	3184	Entrez Gene	ヘテロ核ヒスロンタンパク質 (AUI)核領域RNA結合タンパク質1, 37kDa)	1030_s_at	Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.711	1.5853E-03
471	6050	Entrez Gene	リボヌクレオチド/アデニンインビター	39921_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.711	8.1965E-03
472	2064	Entrez Gene	verp-b2赤芽球性白血病ウイルス癌遺伝子ホロフ 2.神経芽細胞腫/膠芽腫由来癌遺伝子ホロフ (N)	37311_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.713	2.9353E-04
474	79026	Entrez Gene	AHNK核タンパク質(チヌキ)	38016_at	Day 0 Peri/ Day 0 Intra	0.714	4.2703E-03
475	U77948	GenBank	基本転写因子II, i 偽遺伝子1	36187_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.730	5.3879E-03
				36187_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.715	1.3879E-03
				33218_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.718	4.9044E-04
				33218_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.740	6.2999E-04
				37027_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.748	8.8700E-05
				37027_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.780	3.1374E-04
				35480_s_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.718	8.5556E-03

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
476	949	Entrez Gene	クラスBスカルビン受容体、メンバー	41200_at 41200_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.720 0.721	1.3768E-03 1.6250E-03
477	1917	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1α2	35174_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.720	6.7372E-04
478	6205	Entrez Gene	リソソームタンパク質S11	32330_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.721	3.3215E-03
480	HG1614- HT161	The Institute for Genomic Research	—	954_s_at 954_s_at	Day 7 Peri/ Day 7 Control Day 7 Peri/ Day 7 Intra	0.722 0.747	8.4648E-03 1.0730E-03
481	79095	Entrez Gene	第9染色体オプソンリジンクプレム16	41047_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.725	5.9374E-03
483	22924	Entrez Gene	微小管結合タンパク質A、RP/EB77シ、メンバー3	40825_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.725	1.1882E-03
484	26578	Entrez Gene	破骨細胞刺激因子1	40825_at 467_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.765 0.725	2.4008E-03 7.2710E-03
485	1347	Entrez Gene	シクロオキシゲナーゼサブユニットVillobin'リブチド2(肝臓)	41760_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.726	1.4279E-03
486	3615	Entrez Gene	IMP(インピンリン酸)脱水素酵素2	36624_at 36624_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.726 0.740	5.8955E-03 8.1540E-04
487	1981	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子4γ、1	32844_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.727	9.4700E-03
488	22934	Entrez Gene	リボ-ス5-リン酸異性化酵素A(リボ-ス5リン酸エヒラセ)	38036_at	Day 0 Peri/ Day 0 Intra	0.728	4.9732E-03
490	11311	Entrez Gene	液胞タンパク質ソニンク45A(酵母)	35778_at	Day 0 Peri/ Day 0 Intra	0.731	7.1397E-03
491	3916	Entrez Gene	リソソーム膜タンパク質1	39758_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.732	1.6743E-03
492	23020	Entrez Gene	活性化シグナルコレステロール複合体サブユニット3様1	41224_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.732	7.2017E-03
493	10473	Entrez Gene	高移動度群スクレオソーム結合ドメイン4	35738_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.732	4.8156E-03
494	10075	Entrez Gene	HECT、UBAおよびWWドメイン含有1	34372_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.802	9.1907E-03
495	6812	Entrez Gene	シタキシン結合タンパク質1	33842_s_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.734	2.7333E-03
496	23511	Entrez Gene	スクレオソーム188kDa	32644_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.735	1.7224E-03
497	HG2238- HT232	The Institute for Genomic Research	—	329_s_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.735	9.9419E-03
498	283638	Entrez Gene	KIAA0284	38592_s_at 38592_s_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.736 0.788	1.6693E-03 5.7373E-03

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
499	30988	Entrez Gene	ストマチン(EPB72)様2	34380_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.736	6.0626E-03
501	10634	Entrez Gene	増殖停止特異的2様1	31874_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.737	7.5700E-05
502	3420	Entrez Gene	イクエン酸脱水素酵素3(NAD+)β	31874_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.791	1.9327E-03
503	10424	Entrez Gene	プロゲステロン受容体膜成分2	40111_g_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.737	9.0628E-03
504	8531	Entrez Gene	低温ショックマインタンパク質A	38821_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.738	3.9490E-03
505	5439	Entrez Gene	ホリラゼ(RNA)(DNA指向性) ホリラゼドJ, 13.3kDa	38821_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.746	7.1002E-03
506	10929	Entrez Gene	スプライング因子、アルキニン/セリンリッチ、46kD	38839_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.738	8.5534E-03
507	6227	Entrez Gene	リボソムタンパク質S21	1486_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.740	2.7928E-03
508	6169	Entrez Gene	リボソムタンパク質L38	1486_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.772	1.7983E-03
510	6218	Entrez Gene	リボソムタンパク質S17	32038_s_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.740	6.3052E-03
511	9540	Entrez Gene	腫瘍タンパク質p53誘導タンパク質3	32744_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.740	7.2902E-03
512	1327	Entrez Gene	シクロ酸素オキシゲナーゼサブユニットIVアイソフォーム1	34085_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.743	6.3557E-03
514	3030	Entrez Gene	ヒドロキシアシルCoA脱水素酵素/3-ヒドロキシアシル-CoAチラゼ/エノイルCoA加水酵素 (三機能タンパク質)	34592_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.745	2.8146E-03
516	3032	Entrez Gene	ヒドロキシアシルCoA脱水素酵素/3-ヒドロキシアシル-CoAチラゼ/エノイルCoA加水酵素 (三機能タンパク質)	36079_at	Day 3 Peri/ Day 3 Intra	0.746	5.1335E-03
517	5223	Entrez Gene	ホスホリリシン酸ムタセ1(膜)	39027_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.746	6.3689E-03
518	10638	Entrez Gene	S期応答(サイクリン関連)	36952_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.750	6.1291E-03
520	10572	Entrez Gene	CD27結合(Siva)タンパク質I	36952_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.835	2.4582E-03
516	3032	Entrez Gene	ヒドロキシアシルCoA脱水素酵素/3-ヒドロキシアシル-CoAチラゼ/エノイルCoA加水酵素 (三機能タンパク質)	39741_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.752	2.0159E-03
517	5223	Entrez Gene	ホスホリリシン酸ムタセ1(膜)	41221_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.752	1.6814E-03
518	10638	Entrez Gene	S期応答(サイクリン関連)	1685_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.754	1.2083E-03
520	10572	Entrez Gene	CD27結合(Siva)タンパク質I	39020_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.754	9.5129E-03

10

20

30

40

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
522	162427	Entrez Gene	仮想タンパク質LOC162427	38423_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.755	7.1257E-03
				38423_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.845	2.2722E-03
				38423_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.848	1.7317E-03
523	10036	Entrez Gene	クマリン構築因子1、サブユニットA(p150)	32589_at	Day 7 Peri/ Day 7 Extra	0.756	2.8970E-03
524	6202	Entrez Gene	リボソームタンパク質S8	31583_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.755	8.6210E-03
525	55218	Entrez Gene	第14染色体オプテグリンゲラム1114	35283_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.769	7.7904E-04
527	9724	Entrez Gene	UTP14、U3核内低分子リボヌクレオタンパク質、ホモログC(酵母)	39405_at	Day 0 Peri/ Day 0 Intra	0.760	3.9078E-03
528	26003	Entrez Gene	ゴルジ再構築スッキングタンパク質2、55kDa	35805_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.761	2.3291E-04
				35805_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.770	2.6315E-03
529	56829	Entrez Gene	ジクフィンガ-CCOH型、抗ウイルス1	35882_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.761	2.0789E-04
530	4601	Entrez Gene	MAXインタクター1	654_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.783	5.2959E-03
				39072_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.839	6.8595E-03
531	6293	Entrez Gene	液胞タンパク質ソテイング52(酵母)	32658_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.752	7.4217E-03
				32658_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.858	6.8088E-03
533	10067	Entrez Gene	分泌担体膜タンパク質3	32799_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.763	8.3346E-03
534	5437	Entrez Gene	ホリメラセ(RNA)II(DNA指向性)ホリヘフチドH	35631_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.764	7.2269E-03
				35631_at	Day 3 Peri/ Day 3 Intra	0.772	5.4217E-03
535	6203	Entrez Gene	リボソームタンパク質S9	31511_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.764	7.8708E-03
536	55744	Entrez Gene	仮想タンパク質FLJ10803	37610_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.764	2.5200E-03
538	5036	Entrez Gene	増殖関連2G4、38kDa	41600_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.765	6.9426E-03
539	9249	Entrez Gene	デトリグナーゼ/レクタゼ(SDR777ミトコンドリア)	40782_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.755	6.4510E-03
540	1337	Entrez Gene	シクロムcオキシダーゼサブユニットVaホリヘフチド1	41206_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.766	1.7769E-03
541	23623	Entrez Gene	RUNおよびSH3ドメイン含有1	34264_at	Day 3 Peri/ Day 3 Intra	0.768	9.1260E-03
542	8890	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子2B、サブユニット4、67kDa	32659_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.768	8.3725E-03

【 0 2 9 1 】

10

20

30

40

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
543	203069	Entrez Gene	R3H1 メインおよびコイルドコイル含有1	35156_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.759	8.4083E-03
544	7529	Entrez Gene	チロシン3-モノオキシゲナーゼ/トリプトファン5-モノオキシゲナーゼ活性化タンパク質、β-ホリパブド	32324_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.759	5.4500E-03
545	23294	Entrez Gene	アンキリン反復およびスチライルαモチグロチン含有1	40971_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.796	3.4853E-03
546	29	Entrez Gene	活性BCR関連遺伝子	39058_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.771	7.8298E-03
547	1937	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子γ	1676_s_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.771	8.5875E-03
548	147179	Entrez Gene	WIREタンパク質	40787_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.772	8.6910E-04
553	8480	Entrez Gene	RAE1 RNA輸出1ホモログ (S. pombe)	32757_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.778	1.2850E-03
558	3163	Entrez Gene	ヘムオキシゲナーゼ (グサイクリン) 2	32758_g_at	Day 7 Peri/ Day 7 Intra	0.789	2.2519E-03
559	22654	Entrez Gene	KIAA1002タンパク質	37916_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.781	8.4119E-03
560	23307	Entrez Gene	KIAA0674	41366_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.781	8.7647E-03
562	9903	Entrez Gene	カルピ様21(シヨウノウハ) I	31826_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.783	2.4939E-03
563	5236	Entrez Gene	ホスホグルコミタゼ1	37230_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.786	5.6275E-03
565	2975	Entrez Gene	基本転写因子III C、ホリパブド1、α220KDa	37230_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.812	4.4808E-03
566	10956	Entrez Gene	骨肉腫増幅	32210_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.789	7.7239E-03
567	1201	Entrez Gene	セロイドリホスフィン沈着症、神経型3、若年性 (ハッデバシヒルマア-ブオート病)	35671_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.791	3.1650E-03
569	527	Entrez Gene	ATP7-セ、ブロン肺型、リッナム型16kDa、VOサブユニット	36996_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.791	9.0785E-03
570	8720	Entrez Gene	膜結合型転写因子ベプダゲ、部位1	36996_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.818	6.2854E-03
571	3151	Entrez Gene	高移動度群グロオソム結合ドメイン2	497_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.792	5.8473E-03
572	286440	Entrez Gene	仮想タンパク質LOC286440	41231_f_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.796	7.6383E-04
573	6136	Entrez Gene	リホソムタンパク質L12	41231_f_at	Day 3 Peri/ Day 3 Intra	0.827	4.3201E-03
575	445	Entrez Gene	アルキニココハク酸合成酵素	41855_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.796	8.4134E-03
576	11224	Entrez Gene	リホソムタンパク質L35	33668_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.797	2.3409E-03
				40541_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.799	7.5623E-03
				41765_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.800	6.9298E-03

低下診断表2

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
577	11258	Entrez Gene	タイチチン3(p22)	40410_at	Day 3 Peri/ Day 3 Control	0.808	6.4549E-03
578	4779	Entrez Gene	核因子(赤芽球由来2)様1	38439_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.811	5.5208E-03
579	149503	Entrez Gene	リンクフィンガンタンパク質187	39722_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.812	7.5346E-03
580	8818	Entrez Gene	トリキリン酸マンノシル転移酵素ホリヘブド2, 調節サブユニット	38725_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.814	3.7920E-03
581	823	Entrez Gene	カルパイン1, (mu/1)大サブユニット	33908_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.815	9.2186E-03
582	5438	Entrez Gene	ホリメラゼ(RNA)III(DNA指向性ホリヘブド1, 14.5kDa	34828_at	Day 0 Peri/ Day 0 Control	0.816	8.6878E-03
583	6720	Entrez Gene	ステロイド制御領域結合転写因子1	32135_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.819	6.4366E-03
584	23633	Entrez Gene	カリオカリンα6(インホルニンα7)	40275_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.824	1.6901E-03
				40276_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.847	5.5244E-03
585	7534	Entrez Gene	チロシン3-モノオキシゲナーゼ/トリプトファン5-モノオキシゲナーゼ 活性化タンパク質、2ホリヘブド	1235_at	Day 3 Peri/ Day 3 Extra	0.824	9.9973E-03
				1235_at	Day 3 Peri/ Day 3 Intra	0.853	7.0175E-03
586	23481	Entrez Gene	pescadilloホモログ1, BRCTドメイン含有(セアラフィジン)	41869_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.831	9.3885E-03

【 0 2 9 4 】

遺伝子番号	公開識別子	ゲノム	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
1	4250	Entrez Gene	セルトグロビン、フミリリ2A、メンバ-2	36329_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.131	2.0793E-03
3	10647	Entrez Gene	セルトグロビン、フミリリ1D、メンバ-2	32880_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.211	2.5502E-03
5	2167	Entrez Gene	脂肪細胞型脂肪酸結合タンパク質4	38430_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.219	8.7014E-03
11	553168	Entrez Gene	第1染色体オプゾーニンディングフルム68	31326_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.138	7.6909E-03
14	3205	Entrez Gene	ホオボックスA9	31325_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.214	6.7718E-03
15	7136	Entrez Gene	トロポニン2型(速筋型)	37808_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.180	5.0202E-03
17	6210	Entrez Gene	リボソームタンパク質S15a	38457_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.185	5.1425E-04
28	10781	Entrez Gene	リボソームタンパク質S15a	34316_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.241	3.8100E-05
29	4128	Entrez Gene	モアミ酸化酵素A	34315_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.432	2.320E-04
37	23016	Entrez Gene	エキソソーム成分	41821_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.350	5.4116E-04
38	23352	Entrez Gene	網膜芽細胞腫関連因子600	41771_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.464	2.4030E-03
39	7138	Entrez Gene	トロポニン2型(速筋型)	33294_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.369	2.9388E-04
42	10521	Entrez Gene	DEAD(Asp-Glu-Ala-Asp)ホックスホリヘフチ17	33294_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.453	3.7416E-04
43	8710	Entrez Gene	セルトグロビン、セ阻害剤、クレトB(オホ7M7ミ)、メンバ-2	33660_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.369	5.2550E-04
46	54	Entrez Gene	酒石酸耐性酸性ホスファターゼ5	33660_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.374	1.4026E-03
49	63928	Entrez Gene	肝細胞癌抗原遺伝子520	33660_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.452	4.0374E-03
50	5055	Entrez Gene	セルトグロビン、セ阻害剤、クレトB(オホ7M7ミ)、メンバ-2	36113_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.371	6.4628E-03
51	5354	Entrez Gene	プロオレトタンパク質1(ヘリツェウス・マルツハッヘル病、遺伝性対麻痺2型、単純性)	36113_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.452	4.3070E-03
52	642	Entrez Gene	フロオイン加水分解酵素	33363_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.383	2.2472E-03
53	10443	Entrez Gene	仮想遺伝子CG012	35577_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.385	4.8105E-04
54	224	Entrez Gene	フルト脱酸素酵素377ミリ、メンバ-A2	677_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.389	2.8442E-04
55	90634	Entrez Gene	仮想遺伝子CG018	33007_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.394	7.4079E-03
				37185_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.399	5.5226E-03
				41158_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.544	4.8737E-03
				394_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.404	6.8138E-03
				1532_g_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.406	9.9594E-04
				1532_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.567	4.1852E-03
				40408_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.445	7.4233E-03
				1527_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.410	2.0450E-03
				1527_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.515	2.5140E-03

低下診断表3

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
59	10001	Entrez Gene	RNAポリマラーゼII転写因子、サブユニット6ホモログ (酵母)	35430_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.427	4.0549E-03
60	97	Entrez Gene	アシルホスファターゼ1、赤血球型(一般型)	33334_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.427	3.3326E-03
63	51097	Entrez Gene	サカロピン脱水素酵素(推定)	34863_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.430	9.0435E-03
64	2217	Entrez Gene	IgFc $\gamma$ ラガメント、受容体、トランスホクター、 $\alpha$	31431_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.430	7.9132E-04
65	1983	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子5	167_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.431	3.2376E-04
71	HG3570-HT377	The Institute for Genomic Research	—	936_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.437	1.3929E-04
				936_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.554	6.0851E-03
74	8906	Entrez Gene	アタタンパク質複合体1、 $\gamma$ 2サブユニット	38798_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.441	6.9369E-03
				38798_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.480	6.4090E-03
77	9524	Entrez Gene	糖タンパク質、シナプス2	38966_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.444	3.9851E-03
78	91137	Entrez Gene	仮想タンパク質BC017169	38966_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.530	1.4148E-03
79	58288	Entrez Gene	par-3ハニイオニグ欠陥3ホモログ(C. elegans)	37178_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.449	3.9314E-03
				40973_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.451	2.5568E-03
81	260294	Entrez Gene	ウリアルス・ゼンシ症候群染色体領域20C	41268_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.453	3.7268E-03
83	131544	Entrez Gene	仮想タンパク質DKFZp667G2110	41274_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.454	4.4963E-03
85	10181	Entrez Gene	RNA結合モチタンパク質5	41274_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.589	7.6530E-03
				1566_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.460	1.4047E-03
94	10450	Entrez Gene	ヘプタシルプロリン異性化酵素E(シクロフィリンE)	34365_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.473	5.7231E-03
95	HG1112-HT111	The Institute for Genomic Research	—	1839_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.555	9.8116E-03
99	10314	Entrez Gene	ヘプタシルプロリン異性化酵素E(シクロフィリンE)	39441_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.482	2.7594E-03
103	10924	Entrez Gene	スフィンゴミエリホスホシステラセ酸様3A	39950_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.483	8.6125E-03
109	26039	Entrez Gene	第18染色体末端膜肉腫転座遺伝子様1	31903_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.493	1.3274E-03
113	6480	Entrez Gene	シルバホモログ(マウス)	38327_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.512	5.3933E-04
115	4176	Entrez Gene	MCM7ミクロソーム維持欠陥7(S. cerevisiae)	947_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.496	7.8438E-04

低下診断表3

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
116	2197	Entrez Gene	普遍的発現Finkel-Biskis-Reillyマウス肉腫ウイルス (FBR-MuSV)(fox田来)リソソームタンパク質S30	31955_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.498	8.3003E-03
118	4898	Entrez Gene	ナルシリン(二塩基性N-アルキル)ニ変換酵素	34787_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.499	2.6275E-03
123	1573	Entrez Gene	シクロΔP450、アミリ-2、サブアミリ-1、ホリヘンチ2	501_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.505	2.0051E-03
130	U18300	GenBank	損傷特異的DNA結合タンパク質2, 48kDa/// LIMホリヘンチ3	1243_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.511	4.6848E-04
132	51706	Entrez Gene	シクロΔb5レタクターゼ1	1243_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.556	6.7443E-03
141	57613	Entrez Gene	KIAA1467タンパク質	35329_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.513	1.8894E-03
142	2647	Entrez Gene	リソソーム関連オルガネラ複合体1、サブユニット1の合成	41826_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.520	5.9389E-03
148	4713	Entrez Gene	NADH7-ヒドロゲナーゼ(ヒキソ)1βサブユニット、7.18kDa	39133_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.520	1.5729E-03
150	771	Entrez Gene	炭酸脱水酵素XII	35773_l_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.525	1.8840E-03
151	55187	Entrez Gene	液胞タンパク質ソテイング130(酵母)	35454_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.526	3.3451E-03
152	498	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、ミトコンドリア複合体、αサブユニット、アイソフォーム1、心筋	32743_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.619	1.5268E-03
156	5985	Entrez Gene	複製因子C(活性化因子1)5, 36.5kDa	40096_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.527	6.5302E-03
159	5110	Entrez Gene	タンパク質L-γアミノ酸D-アミノ酸アミノ酸O-アシル基転移酵素	40096_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.563	2.0338E-04
160	113146	Entrez Gene	第14染色体オープンリーディングフレーム78	563_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.533	6.1850E-03
165	10124	Entrez Gene	ADPリホシル化因子様4	37798_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.678	3.6789E-03
166	10653	Entrez Gene	セリンヘンチターゼ阻害剤、ケニツタイフ.2	36497_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.535	3.4244E-03
167	10434	Entrez Gene	リソソームホリヘンチ1	33796_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.537	6.8633E-03
170	80308	Entrez Gene	Fad1, アドリンアデニンヌクレオチドシンターゼ, ホモログ(酵母)	34348_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.537	9.4449E-03
173	23345	Entrez Gene	スベクトリン反復含有、核膜1	34348_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.573	7.9326E-03
175	80208	Entrez Gene	仮想タンパク質FLJ21439	39396_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.541	7.9687E-03
				39074_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.544	3.5087E-04
				38113_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.546	1.8607E-03
				40615_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.546	5.1650E-03

10

20

30

40

低下診断表3

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プライムID	比較	倍率変化	P値
180	9927	Entrez Gene	ミトコンドリア	34369_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.549	2.5016E-03
182	2145	Entrez Gene	zesteホモログエンハンス(ゾグゾグエン)	32259_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.593	1.0957E-03
183	2959	Entrez Gene	基本転写因子IB	1070_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.556	4.5246E-03
185	4736	Entrez Gene	リボソームタンパク質L10a	36786_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.592	1.4203E-03
186	644	Entrez Gene	ヒパルジナルタクタセA	36786_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.622	8.0958E-04
187	9665	Entrez Gene	linkain b1	36786_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.668	3.0374E-03
191	11336	Entrez Gene	SEC6様1(S. cerevisiae)	32618_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.557	3.0808E-04
192	7009	Entrez Gene	精巣増強遺伝子転写産物(BAXインビター)	32618_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.677	7.9770E-03
193	23107	Entrez Gene	ニコトリアリボソームタンパク質S27	31936_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.558	3.7112E-03
194	50	Entrez Gene	アミラーゼ2、ミトコンドリア型	37597_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.590	4.7535E-03
195	2746	Entrez Gene	グルタミン酸デヒドロゲナーゼ1	33888_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.560	1.0937E-03
198	6166	Entrez Gene	リボソームタンパク質L36a様	39377_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.571	9.8955E-03
199	7175	Entrez Gene	転座プロモーター領域(活性化)したMET癌遺伝子への)	180044_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.562	5.6984E-03
202	10553	Entrez Gene	HIV-1 Tat結合タンパク質2、30kDa	31691_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.563	6.9886E-03
203	115817	Entrez Gene	デヒドロゲナーゼ/ルタクタセ(SDR7アミノトランスフェラーゼ)	39856_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.568	7.8476E-03
205	25963	Entrez Gene	DKFZP564G2022タンパク質	421_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.569	3.6369E-03
206	1212	Entrez Gene	クワリシ、鉄結合タンパク質(Lcb)	38824_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.571	7.2789E-03
207	1852	Entrez Gene	Dナハ知互変異性酵素	39103_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.571	2.1724E-04
216	4729	Entrez Gene	NADHデヒドロゲナーゼ(ユキニン)フラホタンパク質2、24kDa	40437_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.572	3.2143E-03
217	987	Entrez Gene	LPS応答性小胞輸送、ヒ子およびアノカ含有	32523_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.573	4.0609E-03
222	10980	Entrez Gene	COP8構成的光形態形成ホモログサブユニット6(Arabidopsis)	374_f_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.573	7.7105E-03
228	645	Entrez Gene	ヒパルジナルタクタセB(ワビエンタルタクタセ(NADPH))	34683_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.581	9.2931E-03
232	10476	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、ミトコンドリア膜複合体、サブユニットd	35371_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.582	1.9369E-03
233	7022	Entrez Gene	転写因子AP-2γ(活性化エランタン結合タンパク質2γ)	40138_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.584	6.5665E-03
				37002_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.588	8.3451E-04
				35760_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.738	8.9277E-03
				40303_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.591	7.9662E-03

低下診断表3

遺伝子番号・公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
235	Entrez Gene	Laリボ核タンパク質トランスクリプター5	32586_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.591	3.7384E-03
241	Entrez Gene	小胞結合膜タンパク質8(エンドプレリン)	32586_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.665	8.4189E-04
243	Entrez Gene	O-6-メチルグアニニ-DNAメチルトランスフェラーゼ	32715_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.628	1.3473E-03
246	Entrez Gene	nischarin	2051_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.594	5.4697E-03
250	Entrez Gene	活性化T細胞核因子、細胞質性、カルシウム依存性3	33916_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.595	3.7132E-03
252	Entrez Gene	B細胞のκ軽鎖ホリボト遺伝子エンハンサーの核因子1(p105)(p105)	33916_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.647	6.0432E-03
254	Entrez Gene	SERPINE1 mRNA結合タンパク質1	40822_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.597	3.4027E-03
257	GenBank	ミエントリア外膜トランスロカセ7ホモログ(酵母)////仮想タンパク質LOC201725	1378_d_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.646	7.6400E-03
259	Entrez Gene	IKサイトカイン、HLAβミセルキニルター	40440_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.599	7.7405E-03
262	Entrez Gene	アチニホスホリボシルトランスフェラーゼ	36025_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.716	2.2148E-03
265	Entrez Gene	仮想タンパク質FLJ22531	218_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.606	4.9835E-04
268	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、ミトコンドリアF1複合体、δサブユニット	34310_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.607	7.6231E-03
269	GenBank	グルタミン酸受容体、イオンチャネル型、N-メチル-D-アスパラギン酸様1A////GRIN1A結合タンパク質////グルタミン酸受容体、イオンチャネル型、N-メチルD-a類似	41804_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.606	1.1934E-04
275	Entrez Gene	unc-13ホモログ(B. elegans)	37992_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.611	6.2111E-03
277	Entrez Gene	変性精細胞ホモログ1、脂質デサチュラーゼ(シロウシヨハエ)	35736_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.611	4.7952E-03
278	Entrez Gene	ユビキノールクロロム還元酵素、6.4kDaサブユニット	40087_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.614	3.7491E-03
279	Entrez Gene	癌抑制遺伝子候補4	33337_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.614	8.5255E-03
281	Entrez Gene	WD反復ドメイン42A	33337_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.626	3.0395E-03
			38451_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.614	8.2100E-05
			40497_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.614	9.7424E-03
			40497_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.655	1.1667E-04
			38823_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.516	2.9015E-03

低下診断表3

遺伝子番号	公開識別子	ゲノム	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
291	5092	Entrez Gene	6-ヒドロキシステロイド脱ヒドロキシ化酵素/肝細胞核因子1 $\alpha$ 二量体化補助因子(TOF1)	34352_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.620	2.4354E-03
292	7818	Entrez Gene	細胞死関連タンパク質3	1356_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.621	1.4788E-03
294	23063	Entrez Gene	KIAA0261	40086_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.623	5.5839E-03
296	57147	Entrez Gene	SCY1-like3(S. cerevisiae)	41329_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.624	2.9063E-03
300	22883	Entrez Gene	カルシゲニン1	41498_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.626	9.2124E-04
301	7520	Entrez Gene	チャイニーズハムスター細胞における修復欠陥を補完するX線修復5(二本鎖切断修復; Ku自己抗原、80kDa)	20593_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.627	1.0646E-03
305	23361	Entrez Gene	KIAA0323	36733_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.644	9.6568E-03
306	2065	Entrez Gene	ver-b2赤芽球性白血病ウイルス遺伝子ネドク3(NI)	32592_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.628	6.9436E-04
307	10217	Entrez Gene	CTD(カルボキシル末端ドメイン RNAポリメラーゼII、ポリ(ヘプタヌール)A)ヌクレオチドポリマーゼ様	2089_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.629	5.0250E-03
308	23658	Entrez Gene	LSM5ネドク、U6核内低分子RNA結合(S. cerevisiae)	40196_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.530	3.3471E-03
309	W28948	GenBank	完全長インサートcDNA YH77E09	34270_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.631	1.9266E-03
314	6209	Entrez Gene	リボソームタンパク質S15	37161_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.640	6.9170E-03
317	10961	Entrez Gene	小胞体タンパク質29	39916_r_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.633	1.4158E-03
318	7265	Entrez Gene	ネトラドコヘフド反復ドメイン1	39916_r_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.675	7.7101E-03
323	9296	Entrez Gene	ATP7セ、プロトン輸送型、リソソーム型14kDa、V1サブユニット	36945_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.635	9.2309E-04
326	1632	Entrez Gene	ドナミルCoAの異性化酵素(3,2-トランスエノイルCoA異性化酵素)	37821_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.635	7.5603E-03
328	6141	Entrez Gene	リボソームタンパク質L18	37395_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.638	2.2448E-03
332	573	Entrez Gene	BCL2関連アタジン	37395_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.722	8.6817E-04
335	11083	Entrez Gene	細胞死関連転写因子1	37892_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.639	2.3722E-03
336	10247	Entrez Gene	熱応答性タンパク質12	31546_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.539	6.9963E-03
343	7739	Entrez Gene	シンクアインカタンパク質18(LJM1'メイン)	34798_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.542	4.4022E-03
				32045_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.644	6.8658E-03
				32173_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.659	6.9500E-03
				32139_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.648	5.7560E-03

低下診断表3

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
348	26211	Entrez Gene	嗅覚受容体、ファミリー2、サブファミリーC、メンバー1	31921_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.652	2.1176E-03
350	9798	Entrez Gene	KIAA0174	36942_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.653	5.6556E-03
353	4070	Entrez Gene	腫瘍関連シグナルトランスデュサー2	291_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.654	9.5083E-03
359	4835	Entrez Gene	NAD(P)H脱水素酵素、キノ2	36680_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.657	7.2935E-03
367	51690	Entrez Gene	LSM77核ドメイン、U6核内低分子RNA結合(S. cerevisiae)	36846_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.662	8.8105E-04
378	10014	Entrez Gene	ヒストンH2Aセテラゼ5	36810_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.667	1.7702E-04
380	HG682-HT662	The Institute for Genomic Research	—	1151_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.669	1.5550E-03
385	4694	Entrez Gene	NADH脱ヒドロゲナーゼ(ニトキノン)1αサブユニット、1,7.5kDa	36169_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.671	5.9310E-04
389	8667	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3、サブユニット3γ、40kDa	36169_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.710	9.3036E-03
395	5441	Entrez Gene	ポリグゼ(RNA)DNA指向性ポリグゼ7.6kDa	35327_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.672	5.0660E-03
404	3028	Entrez Gene	ヒドロキシルCoA脱水素酵素、II型	35841_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.676	2.4859E-03
407	6748	Entrez Gene	シグナル配列受容体、δ(トランスロコン関連タンパク質δ)	40778_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.683	9.5528E-03
411	1537	Entrez Gene	シグナル配列受容体、δ(トランスロコン関連タンパク質δ)	40778_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.700	6.7401E-03
415	64976	Entrez Gene	シグナル配列受容体、δ(トランスロコン関連タンパク質δ)	36835_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.684	3.2000E-03
418	4676	Entrez Gene	シグナル配列受容体、δ(トランスロコン関連タンパク質δ)	1160_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.685	9.9816E-03
431	8337	Entrez Gene	シグナル配列受容体、δ(トランスロコン関連タンパク質δ)	32745_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.688	7.4413E-03
433	23492	Entrez Gene	シグナル配列受容体、δ(トランスロコン関連タンパク質δ)	32575_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.689	7.9600E-05
434	4809	Entrez Gene	シグナル配列受容体、δ(トランスロコン関連タンパク質δ)	286_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.693	7.8013E-03
437	328	Entrez Gene	シグナル配列受容体、δ(トランスロコン関連タンパク質δ)	36994_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.693	8.8784E-03
440	533	Entrez Gene	シグナル配列受容体、δ(トランスロコン関連タンパク質δ)	41746_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.693	5.4886E-03
445	4678	Entrez Gene	シグナル配列受容体、δ(トランスロコン関連タンパク質δ)	2025_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.695	4.9002E-03
449	57017	Entrez Gene	シグナル配列受容体、δ(トランスロコン関連タンパク質δ)	36167_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.696	9.2513E-03
453	10542	Entrez Gene	シグナル配列受容体、δ(トランスロコン関連タンパク質δ)	33255_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.696	9.0975E-03
			第16染色体オリゴヌクレオチド結合タンパク質	34810_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.700	1.2552E-03
			B型肝炎ウイルス結合タンパク質	38054_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.704	9.1709E-03

低下診断表3

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロファイルID	比較	倍率変化	P値
459	593	Entrez Gene	分枝鎖外酸脱水素酵素E1, $\alpha$ -ホリブチド(メ-グ ルロブ)尿症)	37704_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.707	1.4726E-03
463	22870	Entrez Gene	SAPSTメインアミリアン、タハ-1	36862_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.709	8.5040E-03
471	6050	Entrez Gene	リホスファセ/アキオゲニンヒタ-1	36187_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.730	5.3879E-03
475	U77946	GenBank	基本転写因子U1111基本転写因子U1111 偽遺伝子1	35450_s_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.718	8.5556E-03
480	HG1614- HT161	The Institute for Genomic Research	—	954_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Control	0.722	8.4646E-03
493	10473	Entrez Gene	高移動度群スクロソム結合ドメイン4	35738_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.732	4.8156E-03
498	283638	Entrez Gene	KIAA0284	38592_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.788	5.7373E-03
506	10929	Entrez Gene	スライシグ因子、アルギニン/セリリッ、46kD	32038_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.740	6.3052E-03
514	3030	Entrez Gene	ヒドロキシシルコA脱水素酵素(3-オクトシル-CoA チラセ/エノイルCoA加水酵素(三機能タンパク質 CD27結合(Siva)タンパク質	36852_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.835	2.4582E-03
520	10572	Entrez Gene	CD27結合(Siva)タンパク質	39020_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.754	9.5129E-03
522	162427	Entrez Gene	仮想タンパク質LOC162427	38423_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.755	7.1257E-03
525	55218	Entrez Gene	第14染色体オプテリディンググループ114	35283_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.759	7.7804E-04
529	56829	Entrez Gene	シンクアノ-CCH型、抗ウイルス1	35582_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.761	2.0789E-04
531	6293	Entrez Gene	液胞タンパク質リテイング52(酵母)	32658_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.762	7.4217E-03
542	8880	Entrez Gene	真核細胞膜開始因子2B、サブユニット47kDa、67kDa	32659_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.768	8.3725E-03
546	29	Entrez Gene	活性BCR関連遺伝子	39058_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.771	7.8298E-03
560	23307	Entrez Gene	KIAA0674	31826_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.783	2.4933E-03
567	1201	Entrez Gene	セロイトリホスチン沈着症、神経型3、若年性 (ハッペンシュビ-ルズイ-アノクト病)	497_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.792	5.8473E-03
577	11258	Entrez Gene	タイナクシン3(p22)	40410_at	Day 3 Peri / Day 3 Control	0.808	6.4549E-03
582	5438	Entrez Gene	ホリラセ(RNA)DNA指向性ホリブチ、14.5kDa	34828_at	Day 0 Peri / Day 0 Control	0.816	8.6878E-03

低下診断表4

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
166	10653	Enlrez Gene	セリンペプチダーゼ阻害剤、クニツタイン、2	34348_at	Day 3 Perl / Day 3 Control	0.537	9.4449E-03
				34348_at	Day 0 Perl / Day 0 Control	0.573	7.9326E-03

10

20

30

40

低下診断表5

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プローブID	比較	倍率変化	P値
141	57613	Entrez Gene	KIAA1467/スハク質	41826 at	Day 0 Perd / Day 0 Control	0.520	5.9389E-03
300	22883	Entrez Gene	カシジテンソ	41498 at	Day 3 Perd / Day 3 Control	0.626	9.2124E-04

10

20

30

40

低下診断-表6

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
250	4775	Entrez Gene	活性化T細胞核因子、細胞質性、カルシウム依存性3	40822_at	Day 0 Per1 / Day 0 Control	0.597	3.4027E-03
252	4790	Entrez Gene	B細胞のκ 軽鎖ポリペプチド 遺伝子エンハサ-の核因子1 (p105)(p105)	1378_at	Day 0 Per1 / Day 0 Control	0.646	7.6400E-03
378	10014	Entrez Gene	ヒトインテラゼン5	38810_at	Day 3 Per1 / Day 3 Control	0.667	1.7702E-04

10

20

30

40

低下診断表7

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	70-7 ID	比較	倍率変化	P値
202	10553	Entrez Gene	HIV-1 Tat結合タンパク質2, 30kDa	38824 at	Day 3 Perl / Day 3 Control	0.571	7.2789E-03

10

20

30

40

低下診断表8

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
11	553168	Entrez Gene	第1染色体オプティンディングドメイン68	31326_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.288	7.6740E-03
14	3205	Entrez Gene	ホスホリルキナーゼA9	37809_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.237	8.7426E-03
17	6210	Entrez Gene	リボソームタンパク質S15a	37809_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.314	9.1991E-03
				34316_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.476	1.5785E-04
22	M57951	GenBank	UDPグルクロン酸転移酵素17ファミリーホスホリルキナーゼA10//UDPグルクロン酸転移酵素17ファミリーホスホリルキナーゼA8//UDPグルクロン酸転移酵素17ファミリー	32392_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.320	3.1014E-03
26	5271	Entrez Gene	セルリンペプチダーゼ阻害剤、ルネンB(ホスファミン)、タンパク質	36312_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.331	4.7432E-04
29	4128	Entrez Gene	モアミン酸化酵素A	41772_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.351	3.2109E-03
				41772_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.614	6.2007E-03
38	23352	Entrez Gene	網膜芽細胞腫関連因子600	33860_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.549	6.8632E-03
42	10521	Entrez Gene	DEAD(Asp-Glu-Ala-Asp)ホスホリルキナーゼ17	33860_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.579	3.6353E-03
45	3202	Entrez Gene	ホスホリルキナーゼA5	35363_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.577	6.8649E-03
46	54	Entrez Gene	酒石酸耐性酸性ホスファターゼ5	873_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.387	6.1920E-03
58	10158	Entrez Gene	PDZK1結合タンパク質1	677_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.672	8.0784E-03
65	1983	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子5	31610_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.421	4.1131E-03
				167_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.516	7.0199E-03
70	2618	Entrez Gene	ホスホリルキナーゼ、リシンアミドホスホリルキナーゼ、ホスホリルキナーゼ、ホスホリルキナーゼ、ホスホリルキナーゼ、ホスホリルキナーゼ	36384_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.436	8.9104E-03
72	53335	Entrez Gene	B細胞CLL/リンパ腫11A(シグナルタンパク質)	41356_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.438	5.3163E-03
80	26154	Entrez Gene	ATP結合カゼン、サブアミドA(ABC1)、タンパク質	31754_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.453	4.6700E-03
82	1410	Entrez Gene	クリスタリン、αB	32242_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.454	8.8596E-03
84	10733	Entrez Gene	ホスホリルキナーゼ4(シグナルタンパク質)	975_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.459	4.3469E-03
95	HG1112- HT111	The Institute for Genomic Research	—	1839_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.473	1.6274E-03
97	4129	Entrez Gene	モアミン酸化酵素B	37628_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.475	8.4099E-04
106	8634	Entrez Gene	RNA末端リン酸化酵素1	35195_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.489	1.6326E-03

低下診断表8

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	変異子名	比較	倍率変化	P値
108	7262	Entrez Gene	ブレイクストリンホモシ・様ドメイン、アミノ酸、メンバ-2	31886_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.490	4.0424E-03
110	1525	Entrez Gene	コカキキウイルス・アデノウイルス受容体	37534_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.493	7.3178E-03
112	11072	Entrez Gene	二重特異性ホスファターゼ14	38272_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.494	1.4839E-03
113	6490	Entrez Gene	シバ・ホモロフ (マウス)	38327_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.497	4.4983E-04
119	6662	Entrez Gene	SRV(性決定領域)ホックス9(屈曲肢異形成症、常染色体逆性)	33436_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.500	5.3219E-03
120	2114	Entrez Gene	vets赤芽球症ウイルスE26癌遺伝子ホモログ2(トリ)	38739_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.501	4.4662E-03
129	9833	Entrez Gene	母体胎芽ロインジパキナーゼ	38847_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.510	9.8404E-03
136	2013	Entrez Gene	上皮膜タンパク質2	39631_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.517	3.1103E-03
144	AF096870	GenBank	3要素モチーフ含有16///3要素モチーフ含有16類似、 エストロゲン応答性ホスホタンパク質	38881_l_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.521	1.0549E-04
150	771	Entrez Gene	炭酸脱水酵素XII	35275_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.550	2.8445E-03
154	242	Entrez Gene	アラキドン酸12-リボキシナーゼ、12R型	33029_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.530	9.3338E-03
159	123	Entrez Gene	脂肪分化関連タンパク質	34378_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.542	1.2411E-03
176	202	Entrez Gene	absent in melanoma 1	32112_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.547	1.9891E-03
178	5268	Entrez Gene	セルビンヘンチナーゼ阻害剤、クレタB(ホホアルブミン)、 メンバ-5	862_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.548	8.5245E-03
180	9927	Entrez Gene	ミトコンド	862_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.576	5.9941E-03
185	4736	Entrez Gene	リボソームタンパク質L10a	34399_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.635	6.4361E-03
186	644	Entrez Gene	ヒパルシナルタタセA	36786_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.586	7.2273E-04
188	3033	Entrez Gene	L-3-セトロキシジアルCoAデヒドロゲナーゼ、短鎖	32618_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.620	3.2950E-04
190	55651	Entrez Gene	核小体タンパク質アミノ酸、メンバ-2(H/ACA核小体低分子 RNA)	35435_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.692	5.5220E-03
191	11336	Entrez Gene	SEC6様1(S. cerevisiae)	41322_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.559	1.2634E-03
192	7009	Entrez Gene	精巣増強遺伝子転写産物(BAXインビター)	37597_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.586	9.6420E-04
193	23107	Entrez Gene	ニコトリアリホソムタンパク質S27	33988_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.582	8.2347E-04
201	171546	Entrez Gene	第14染色体オプテリニグアルム147	39377_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.561	3.7750E-03
				33399_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.571	4.8866E-03

低下診断表8

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
202	10553	Entrez Gene	HIV-1 Tat結合タンパク質2, 30kDa	38824_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.592	5.7073E-03
203	115817	Entrez Gene	テトリゲナーゼ/ルダクセ'(SDR7ファミリーメンバー1)	39103_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.601	5.7200E-03
204	25813	Entrez Gene	リチン糖およびアセチン糖成分50kDa (S. cerevisiae)	34845_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.572	1.2889E-03
208	27335	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3, サブユニット12	31482_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.574	7.4544E-04
209	217	Entrez Gene	アルデヒド脱水素酵素27ファミリー(ミトコンドリア型)	32747_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.574	5.1549E-04
210	10049	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ, サブファミリーB, メンバー6	41234_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.577	3.8743E-03
214	11066	Entrez Gene	U11/U12snRNP35K	41029_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.580	1.0146E-03
216	4729	Entrez Gene	NADHデヒドロゲナーゼ(ユビキノン)フラボタンパク質2, 24kDa	34883_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.600	1.3243E-03
217	987	Entrez Gene	LPS応答性小胞輸送, ヒトおよびアソカ含有	35371_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.618	2.4693E-03
220	7295	Entrez Gene	チロドキシ	36992_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.583	3.0827E-03
229	8581	Entrez Gene	リンパ球抗原6複合体, D遺伝子座	36264_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.589	9.2936E-03
232	10476	Entrez Gene	ATP合成酵素, プロトン輸送性, ミトコンドリアF0複合体, サブユニットd	35760_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.590	1.5912E-03
234	2806	Entrez Gene	グルタミル酸オキサロ酢酸アミノ基転移酵素2, ミトコンドリア型(アミノ酸アミノ基転移酵素2)	40764_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.591	2.0500E-03
235	23185	Entrez Gene	Laリボ核タンパク質ドメインファミリーメンバー5	32565_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.782	5.1596E-03
237	708	Entrez Gene	補体成分1, qサブコンホニット結合タンパク質	37668_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.591	6.3705E-03
238	81875	Entrez Gene	インタフェリン活性化エキシグクレアセ遺伝子20kDa様2	40846_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.593	3.2988E-03
239	A1032612	GenBank	エラセ1, (α)核内低分子リボヌクレオタンパク質ホリヘンチド	41403_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.593	2.1695E-03
241	8673	Entrez Gene	小胞結合膜タンパク質8(エトブレピン)	41403_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.674	9.8788E-04
245	6249	Entrez Gene	レスナン(Reed-Steinberg細胞発現中間径フィラメント結合タンパク質)	34350_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.595	8.1420E-03

低下診断表8

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
248	2547	Entrez Gene	チャイニーズハムスター細胞における修復欠陥を補完するX線修復6(Ku自己抗原, 70kDa)	32766_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.597	8.7735E-04
249	545	Entrez Gene	毛細血管拡張運動失調症およびRad3関連	37229_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.619	5.1546E-03
250	4775	Entrez Gene	活性化T細胞核因子、細胞質性、カスプーシ依存性3	40823_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.633	7.3198E-03
252	4790	Entrez Gene	B細胞のK軽鎖ホリヘン補遺伝子エンハンサの核因子1(p105)(p105)	1378_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.598	6.5881E-03
255	23234	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ、サブファミリーC、メンバー9	41569_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.599	4.9293E-03
258	4437	Entrez Gene	mutSホモログ3(大腸菌)	1719_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.603	6.7926E-03
263	6427	Entrez Gene	スライニング因子、アルキルニ/セリンリッチ2	36111_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.607	1.0752E-03
266	27292	Entrez Gene	シタルアデニンシトスワラセ	39883_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.609	2.6811E-03
271	9349	Entrez Gene	リボソームタンパク質L23	32395_f_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.611	2.2508E-03
280	8663	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3、サブユニット8, 110kDa	34841_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.615	9.0352E-03
286	8665	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3、サブユニット5(アミノ、47kDa)	32576_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.617	4.1860E-03
287	7203	Entrez Gene	シャペロン含有TOP1、サブユニット3(γ)	40774_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.617	6.5552E-03
293	U05861	GenBank	アルドクト還元酵素ファミリー1、メンバーC1 (シトクロムP-450還元酵素1:20-α(3-α)-ヒドロキシステロイド脱水素酵素)///アルドクト還元酵素ファミリー	32805_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.621	6.7226E-03
295	9529	Entrez Gene	BCL2関連アミノ酸	36463_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.624	7.6918E-03
299	9536	Entrez Gene	プロスタグランジン合成酵素	38131_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.626	9.0721E-03
303	4928	Entrez Gene	ヌクレオチドリン98kDa	38911_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.627	2.3405E-03
309	W28948	GenBank	完全長シナトDNAH77E09	37161_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.631	4.5494E-03
321	6128	Entrez Gene	リボソームタンパク質L6	31952_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.637	8.7667E-03
322	5245	Entrez Gene	アトピチン	36592_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.637	3.4444E-03
323	9296	Entrez Gene	ATP7セ、プロトン輸送型、リソソーム型14kDa、V1サブユニット	37395_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.810	7.4746E-03
324	1340	Entrez Gene	シクロオキシゲナーゼサブユニットVbホリヘン(ヒトキタ)	40872_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.638	1.3105E-03
325	1891	Entrez Gene	エノイルCoA加水酵素1、ペルオキシド型	32756_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.638	8.7097E-03

低下診断表8

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
327	1933	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1β2	35748_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.639	7.6255E-04
328	6141	Entrez Gene	リボソームタンパク質L18	31546_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.691	6.7124E-03
330	6950	Entrez Gene	複合体1	34791_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.640	3.7040E-03
331	29760	Entrez Gene	B細胞リリナー	38242_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.640	7.2677E-04
336	10247	Entrez Gene	熱応答性タンパク質12	32173_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.645	6.3967E-03
338	899	Entrez Gene	サイクリンF	35907_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.646	8.5538E-03
340	6139	Entrez Gene	リボソームタンパク質L17	32440_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.647	6.1617E-03
341	9521	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1ε1	40587_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.718	6.3530E-03
342	1054	Entrez Gene	CCAAT/エンハンサー結合タンパク質(C/EBP)	39219_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.647	8.7653E-03
344	8664	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3, サブユニット7ζ, 66/67kDa	35298_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.649	2.0180E-03
345	57418	Entrez Gene	WD反復ドメイン18	35983_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.651	3.7380E-03
346	6187	Entrez Gene	リボソームタンパク質S2	31527_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.651	6.9801E-03
347	11079	Entrez Gene	小胞体におけるRER1保留1ホモログ(S. cerevisiae)	41551_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.651	8.1132E-03
349	6206	Entrez Gene	リボソームタンパク質S12	33117_r_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.652	2.4740E-03
353	4070	Entrez Gene	腫瘍関連カルシウムシグナルトランスデュサー2	291_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.655	8.7414E-03
354	7152	Entrez Gene	トポイソメラーゼ(DNA)偽遺伝子2	31680_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.654	8.0454E-03
355	4615	Entrez Gene	骨髄系分化一応答遺伝子(88)	36369_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.654	5.5186E-03
357	9377	Entrez Gene	シクロ酸素シグナルサブユニットVa	41223_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.656	7.0969E-03
358	7386	Entrez Gene	コピノールシクロ酸素還元酵素、リステル黄ホリハブ	34401_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.656	5.8159E-03
362	HG1980-HT202	The Institute for Genomic Research	---	956_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.658	8.0238E-03
364	54107	Entrez Gene	ホリメラーゼ(DNA指向性)、ε3(p17サブユニット)	38702_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.660	3.6355E-03
368	5936	Entrez Gene	RNA結合タンパク質4	35351_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.662	1.3875E-03
369	7004	Entrez Gene	TEATメイン77ミグタンハ4	41037_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.662	6.4186E-04
370	3094	Entrez Gene	ヒスチジン三連残基ヌクレオチド結合タンパク質1	1009_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.662	6.3134E-03
372	10557	Entrez Gene	リボヌクレオチドP/MRP 38kDaサブユニット	41040_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.663	2.3436E-03
373	26156	Entrez Gene	リボソームL1ドメイン含有1	39418_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.664	2.4932E-03
374	6122	Entrez Gene	リボソームタンパク質L3	39418_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.730	4.3297E-03
				31722_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.665	8.4932E-03

低下診断表8

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
381	10694	Entrez Gene	シャペロニン含有TOP1, サブユニット8(θ)	39767_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.669	4.6792E-03
385	4694	Entrez Gene	NADHデヒドロゲナーゼ(ユビキリン)1αサブユニット、1.75kDa	36169_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.706	1.3204E-03
388	10682	Entrez Gene	エモハミル結合タンパク質(スチロイルイミダゼ)	32536_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.672	3.7237E-03
396	2146	Entrez Gene	zesteホモログインハンサン2(ゾグシヨウハニ)	37305_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.677	5.6094E-03
398	2950	Entrez Gene	グルタチオンSトランスフェラーゼ π	37305_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.701	9.0063E-03
401	6156	Entrez Gene	リボソームタンパク質L30	33396_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.679	6.0265E-03
402	516	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、ミトコンドリアF0複合体、サブユニットc(サブユニット9)、アイソフォーム1	33396_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.695	5.1049E-03
				31708_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.682	4.7648E-03
403	9128	Entrez Gene	PRP4 mRNA前駆体プロセッシング因子4ホモログ(酵母)	38075_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.682	3.2512E-04
404	3028	Entrez Gene	ヒドロキシアシルCoA脱水素酵素、II型	37936_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.682	1.2100E-03
405	2961	Entrez Gene	基本転写因子IIε、ホリパフ2、β34kDa	40776_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.687	5.4834E-03
406	10969	Entrez Gene	EBNA1結合タンパク質2	37295_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.683	5.1041E-03
412	6768	Entrez Gene	腫瘍抑制14(結腸癌、マトリタセ、ILチン)	36135_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.683	7.3375E-03
420	6390	Entrez Gene	コハク酸脱水素酵素、サブユニットB、鉄硫黄(lp)	35309_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.685	2.8284E-03
421	162	Entrez Gene	7α/βグルタミルタンパク質複合体1、β1サブユニット	35751_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.689	9.9046E-03
423	6749	Entrez Gene	構造特異的認識タンパク質1	40745_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.689	1.6623E-03
425	6832	Entrez Gene	var1抑制因子、3様1(S. cerevisiae)	37739_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.690	4.8988E-03
426	10939	Entrez Gene	AFG3ATPアーゼファミリー-遺伝子3様2(酵母)	41408_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.691	6.4202E-03
432	6193	Entrez Gene	リボソームタンパク質S5	34315_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.692	3.6862E-04
437	328	Entrez Gene	APEX3/4/5(多機能性DNA修復酵素)1	32437_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.693	1.4564E-03
441	4717	Entrez Gene	NADHデヒドロゲナーゼ(ユビキリン)1、サブユニット未知、1.6kDa	2025_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.746	9.3963E-03
442	23385	Entrez Gene	ニコスリン	39485_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.696	2.0589E-03
				34835_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.696	1.6857E-03

10

20

30

40

低下診断表8

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
446	1847	Entrez Gene	二重特異性ホスファターゼ5	529_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.697	3.7478E-03
455	694	Entrez Gene	B細胞転座相手遺伝子1、抗増殖性	37294_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.704	5.5679E-03
459	593	Entrez Gene	分枝鎖脂肪酸脱水素酵素E1、 $\alpha$ -ホリヘブチル(メチルシロップ尿症)	37704_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.720	1.7216E-03
462	51635	Entrez Gene	デヒドロゲナーゼ/レダクターゼ(SDR77ミトコンドリア)	39814_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.708	6.9810E-03
465	613	Entrez Gene	切断点クラスター領域	34679_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.709	4.4827E-03
466	7150	Entrez Gene	トポイメラーゼ(DNA)II	1030_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.711	1.5853E-03
467	1329	Entrez Gene	シクロ酸素キナーゼサブユニットVb	39921_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.711	8.1965E-03
469	6888	Entrez Gene	トランスアルドラーゼ1	37311_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.713	2.9353E-04
471	6050	Entrez Gene	リボヌクレアーゼ/アンキオゲニンピンビター1	36187_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.715	1.3879E-03
484	26378	Entrez Gene	破骨細胞刺激因子1	467_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.725	7.2710E-03
485	1347	Entrez Gene	シクロ酸素キナーゼサブユニットVllaホリヘブチル2(肝臓)	41760_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.726	1.4278E-03
486	3615	Entrez Gene	IMP(イリジノール)リン酸脱水素酵素2	36674_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.726	5.8955E-03
491	3916	Entrez Gene	リソソーム膜タンパク質1	39758_f_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.732	1.6743E-03
492	23020	Entrez Gene	活性化シグナルコンテグレート1複合体サブユニット3様1	41224_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.732	7.2017E-03
495	6012	Entrez Gene	シタキシン結合タンパク質1	33942_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.734	2.7323E-03
496	23511	Entrez Gene	ヌクレオホリン188kDa	32644_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.735	1.7224E-03
498	293636	Entrez Gene	KIAA0284	38592_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.736	1.6693E-03
499	30958	Entrez Gene	ストリチン(EPB72)様2	34380_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.738	6.0626E-03
502	3420	Entrez Gene	イソクエン酸脱水素酵素3(NAD+) $\beta$	40111_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.737	9.0628E-03
512	1327	Entrez Gene	シクロ酸素キナーゼサブユニットIV7イソオム1	39027_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.746	6.3689E-03
514	3030	Entrez Gene	ヒドロキシシロコA脱水素酵素3/3-オクトアシル-CoAオクサセ/エノイルCoA加水酵素(三機能タンパク質) $\alpha$ サブユニット	36952_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.750	6.1291E-03

低下診断表8

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロファイルID	比較	倍率変化	P値
516	3032	Entrez Gene	ヒトロキシルCoA脱水素酵素/3-オクトシル-CoAオクサゼ/エノイルCoA加水酵素 (三機能タンパク質) $\beta$ サブユニット	39741_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.752	2.0159E-03
517	5223	Entrez Gene	ホスホグリセリン酸ムタゼ1(脳)	41221_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.752	1.6814E-03
523	10036	Entrez Gene	クロマチン構築因子1, サブユニットA(p150)	32589_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.756	2.8970E-03
534	5437	Entrez Gene	ホリヌラゼ(RNA)A(DNA指向性ホリヌラゼ)	35631_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.764	7.2289E-03
536	55744	Entrez Gene	仮想タンパク質FLJ10803	37610_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.764	2.5200E-03
544	7529	Entrez Gene	チロシン3-モノオキシゲナーゼ/トリプトファン5-モノオキシゲナーゼ 活性化タンパク質、 $\beta$ ホリヌラゼ	32324_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.769	5.4500E-03
546	29	Entrez Gene	活性BCR関連遺伝子	39058_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.796	8.8684E-03
553	8480	Entrez Gene	RAE1 RNA輸出1ホモログ(S. pombe)	32757_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.778	1.2850E-03
571	3151	Entrez Gene	高移動度群スクロラム結合ドメイン2	41231_f_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.796	7.6383E-04
585	7534	Entrez Gene	チロシン3-モノオキシゲナーゼ/トリプトファン5-モノオキシゲナーゼ 活性化タンパク質、 $\zeta$ ホリヌラゼ	1235_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.824	9.9973E-03

【 0 3 1 4 】

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	アロプロID	比較	倍率変化	P 値
178	5268	Entrez Gene	セロトニンブナタセ阻害剤、クレタB(ホムアルブミン)、メカ <sup>5</sup>	862_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.549	8.5245E-03
				862_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.576	5.9941E-03
220	7295	Entrez Gene	チロトキシ	36992_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.583	3.0627E-03

40

低下診断表10

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
110	1525	Entrez Gene	コクサキウイルス7E RNAウイルス受容体	37534_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.493	7.3178E-03
229	8581	Entrez Gene	リンパ球抗原6複合体、D遺伝子座	36284_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.589	9.2936E-03

10

20

30

40

低下診断表11

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
250	4775	Entrez Gene	活性化T細胞核因子、細胞質性、カルシウム依存性3	40823_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.633	7.3198E-03
252	4790	Entrez Gene	B細胞のK 経路のヘリウム遺伝子エンハンサの核因子1 (p105)(p105)	1376_g_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.598	6.5881E-03
355	4615	Entrez Gene	骨髄系分化一次応答遺伝子(88)	38369_at	Day 7 Peri / Day 7 Extra	0.654	5.5186E-03

10

20

30

40

低下診断表12

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
202	10553	Enrez Gene	HIV-1 Tat結合タンパク質2.30kDa	38624_at	Day 3 Peri / Day 3 Extra	0.592	5.7073E-03

10

20

30

40

低下診断表13

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
8	9415	Entrez Gene	脂肪酸不飽和化酵素2	32190_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.365	8.5757E-03
11	553168	Entrez Gene	第1染色体オランジリディングフレーム68	31328_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.229	1.6500E-05
18	7123	Entrez Gene	C型リチンドメインファミリー3、メンバB	31325_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.487	3.0725E-03
20	AB011538	GenBank	CDNAクローニングIMAGE:5922621	36569_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.356	1.8400E-05
24	2053	Entrez Gene	細胞質エホキント加水分解酵素2	36568_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.428	5.8746E-04
31	8483	Entrez Gene	軟骨中間層タンパク質、ヌクレオチドホスホリラーゼ	35324_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.447	1.3446E-04
34	10458	Entrez Gene	BAL1結合タンパク質2	35324_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.623	4.2479E-03
36	2273	Entrez Gene	41/2LIMFタンパク質	41473_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.521	6.6949E-03
44	2194	Entrez Gene	脂肪酸シタゼ	34985_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.354	4.8214E-04
51	5354	Entrez Gene	プロセリドタンパク質1(ペリウエウス・マルツハツヘル病、煙性対麻痺2型、単純性)	34985_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.381	2.9109E-03
56	1675	Entrez Gene	補体因子D(アンフィシン)	37761_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.358	3.2292E-04
57	23242	Entrez Gene	コルトン・ブルネモグ(マウス)	32542_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.598	1.0604E-03
71	HG3570-	The Institute for Genomic Research	—	32542_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.643	1.4304E-03
77	HT377	Entrez Gene	糖タンパク質、シナプス2	38429_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.512	8.4627E-03
93	9524	Entrez Gene	クレアチンナーゼ、脳	41158_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.715	7.5707E-03
94	10450	Entrez Gene	ペプチジルプロリン異性化酵素E(シクロフィリンE)	40282_s_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.410	3.2238E-03
101	8532	Entrez Gene	カルボキシンペプチダーゼZ	35669_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.543	1.1342E-03
102	6038	Entrez Gene	リボヌクレアーゼ、RNアゼA7ファミリー4	936_s_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.585	1.2820E-03
				38868_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.679	6.5192E-03
				40883_r_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.614	2.1060E-03
				34365_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.507	3.2271E-04
				37248_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.483	2.2125E-04
				37248_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.522	7.1260E-04
				32664_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.636	5.8524E-04
				32664_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.691	3.6786E-03

低下診断表13

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
107	4163	Entrez Gene	大腸癌変異	35551_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.608	7.2171E-03
113	6490	Entrez Gene	シルバネモダ(マウス)	38327_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.710	9.2062E-03
130	U18300	GenBank	損傷特異的DNA結合タンパク質2, 48kDa/// LIMドメインタンパク質3	1243_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.749	8.6022E-03
131	23051	Entrez Gene	シグナインG およびドメインタンパク質3	40461_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.738	3.2244E-03
136	2013	Entrez Gene	上皮膜タンパク質2	38631_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.629	5.1967E-04
137	81563	Entrez Gene	第1染色体オナゾリチンゲリン21	41679_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.517	1.2344E-03
				41579_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.607	8.6951E-03
138	1638	Entrez Gene	トバクロム互変異性酵素 (トバクロムチンゲリン2, チロシン関連タンパク質2)	41182_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.518	2.7300E-05
				41182_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.596	1.9071E-04
148	4713	Entrez Gene	NADHデヒドロゲナーゼ(ユビキノリン)βサブユニット、 7, 18kDa	35773_l_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.748	5.4735E-03
				35774_r_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.791	1.2691E-03
149	1396	Entrez Gene	システインリッチタンパク質1(腸)	33232_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.526	3.2907E-04
				33232_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.596	1.5417E-03
151	55187	Entrez Gene	液胞タンパク質リチンゲリン13D(酵母)	32743_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.772	6.0079E-03
150	113146	Entrez Gene	第14染色体オナゾリチンゲリン78	36497_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.545	2.9700E-05
				36497_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.577	3.7100E-05
179	1474	Entrez Gene	シスチンE/M	33128_s_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.549	1.9072E-03
				33128_s_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.605	2.6568E-03
185	4736	Entrez Gene	リボソームタンパク質L10a	36786_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.783	1.0376E-03
209	217	Entrez Gene	アルデヒド脱水素酵素27ファミリー(ミトコンドリア型)	32747_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.741	2.4111E-03
212	8623	Entrez Gene	アセチルセロトニン-O-メチルトランスフェラーゼ様	36553_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.710	1.0994E-04
213	169611	Entrez Gene	オルファクトミン様2A	38312_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.719	4.2489E-04
223	2621	Entrez Gene	増殖停止特異的6	1597_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.889	5.8701E-03

低下診断表13

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロファイルID	比較	倍率変化	P値
230	AB006780	GenBank	レクチン、ガラクトシド結合性、可溶性、3(カレクチン3)/// カレクチン3内在遺伝子	35357_at 35357_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.683 0.763	4.0159E-04 8.3297E-03
231	6929	Entrez Gene	転写因子3(E2A免疫グロブリンエンハンサ結合因子 E12/E47)	1373_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.738	3.1310E-04
240	26040	Entrez Gene	SET結合タンパク質1	34590_at 34980_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.593 0.711	3.4533E-04 9.8766E-03
257	A1557012	GenBank	ミトコンドリア外膜トランスロカセ7ホモログ(酵母)/// 仮想タンパク質LOC201725	39025_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.798	1.0424E-03
260	5453	Entrez Gene	POUドメイン、クラス3、転写因子1	33675_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.606	4.5158E-03
273	23090	Entrez Gene	ジンクフィンガータンパク質423	34950_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.613	2.6182E-04
276	56967	Entrez Gene	第14染色体オランディングフレーム132	41837_at 41837_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.614 0.680	6.2326E-04 1.7553E-03
277	8560	Entrez Gene	変性精細胞ホモログ1、脂質デサチュラーゼ (シヨウシヨウハエ)	33337_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.690	1.2271E-03
280	8663	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子3、サブユニット8、110kDa	34841_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.776	9.4128E-03
285	23650	Entrez Gene	3要素モチーフ含有29	1898_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.617	3.0138E-03
300	22883	Entrez Gene	カルジニン	41498_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.777	3.9252E-03
304	3290	Entrez Gene	ヒトキシステロイド(11-β)脱水素酵素1	35702_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.628	6.5442E-03
306	2065	Entrez Gene	v-erb-b2赤芽球性白血病ウイルス癌遺伝子ホモログ3 (N1)	32787_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.577	7.5081E-03
307	10217	Entrez Gene	CTD(カルボキシ末端ドメイン)RNAポリマラーゼII ポリヘプタドAヌクレオチドポリマー	40196_at 40196_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.735 0.770	2.0122E-03 5.2302E-03

低下診断表13

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
311	4681	Entrez Gene	神経芽細胞腫、腫瘍抑制1	37005_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.842	1.7449E-03
323	9296	Entrez Gene	ATP7セ、ブロン輸送型、リソソム型14kDa、V1サブユニット	37005_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.695	2.4042E-03
326	6141	Entrez Gene	リソソムタンパク質L18	37395_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.840	4.0330E-03
333	2709	Entrez Gene	キヤプシンタンパク質、β5(ロネキン31.1)	31546_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.760	9.8180E-03
339	HG162- HT3165	The Institute for Genomic Research	---	1278_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.647	6.0118E-03
374	6122	Entrez Gene	リソソムタンパク質L3	31722_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.792	9.5624E-03
375	6176	Entrez Gene	リソソムタンパク質、ラジ、PI	31957_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.666	3.7416E-03
378	10014	Entrez Gene	ヒストンデアセチラーゼ5	38810_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.778	7.8739E-03
379	10610	Entrez Gene	ST6(α-N-アセチル-β-D-グルコサミン-2,3-β-ガラクトシル- 1,3-N-アセチル-β-D-グルコサミン)-α-2,6- シアリルトランスフェラーゼ2	34693_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.668	5.8340E-04
383	4856	Entrez Gene	腎芽細胞腫過剰発現遺伝子	39250_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.670	5.1134E-03
384	9314	Entrez Gene	クルパル様因子4(消化管)	36214_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.670	7.5246E-03
386	10904	Entrez Gene	膀胱癌関連タンパク質	35266_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.815	4.1112E-03
404	3028	Entrez Gene	ヒドロキシルCoA脱水素酵素、II型	40778_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.785	3.6406E-03
408	4610	Entrez Gene	VMYC骨髄芽球症ウイルス癌遺伝子ホモログ1、 肺癌由来(トリ)	1490_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.684	2.8494E-04
416	10420	Entrez Gene	精巢特異的キナーゼ2	33164_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.688	8.0384E-03
424	4134	Entrez Gene	微小管結合タンパク質4	33850_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.690	9.2919E-04
429	10570	Entrez Gene	シトクロームP-450シメチン様4	33850_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.747	8.7450E-03
432	6193	Entrez Gene	リソソムタンパク質S5	39503_s_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.693	9.8616E-03
433	23492	Entrez Gene	クロモソームホモログ7	32437_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.740	3.6904E-03
				32437_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.808	6.6422E-03
				36894_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.742	1.6692E-03
				36894_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.742	3.4050E-03

低下診断表13

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
434	4809	Entrez Gene	NHP2非ヒストン染色体タンパク質2様1(S. cerevisiae)	41746_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.830	5.1703E-03
436	79090	Entrez Gene	輸送タンパク質粒子複合体6A	36529_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.694	6.8032E-03
438	84525	Entrez Gene	ネオドメイン単独タンパク質	36698_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.695	8.7288E-03
449	57017	Entrez Gene	第16染色体オープンリーディングフレーム49	34810_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.810	4.2261E-03
457	4174	Entrez Gene	MCM5ニニ染色体維持欠陥5、細胞分裂周期46(S. cerevisiae)	982_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.706	4.9235E-04
458	10278	Entrez Gene	胎児性Fyn結合基質	33883_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.706	2.0000E-05
460	4357	Entrez Gene	メルカプトピルビン酸硫黄転移酵素	36124_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.707	7.1338E-04
461	3727	Entrez Gene	Jun D癌原遺伝子	41483_s_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.707	9.7391E-03
464	22882	Entrez Gene	ジクファインカおよびネオホックス2	41503_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.709	9.7700E-05
472	2064	Entrez Gene	verbb2赤芽球性白血病ウイルス癌遺伝子ホモログ2、神経芽細胞腫/膠芽腫由来癌遺伝子ホモログ(ト)	33218_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.718	4.9044E-04
474	79026	Entrez Gene	AHNAK核タンパク質(テストキン)	33218_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.740	6.2989E-04
476	949	Entrez Gene	クラスBスベリン受容体、メンバ-1	37027_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.748	8.8700E-05
477	1917	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1α2	37027_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.780	3.1374E-04
478	8205	Entrez Gene	リボソームタンパク質S11	41200_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.720	1.3768E-03
481	79095	Entrez Gene	第9染色体オープンリーディングフレーム16	41200_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.721	1.6250E-03
				35174_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.720	6.7372E-04
				32330_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.721	3.3215E-03
				41047_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.725	5.9374E-03

低下診断表13

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
483	22924	Entrez Gene	微小管結合タンパク質4, RP/EB7ファミリーメンバー3	40825_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.725	1.1882E-03
486	3615	Entrez Gene	IMP(インシリン)酸脱水素酵素2	40825_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.765	2.4008E-03
487	1981	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子4γ, 1	36624_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.740	8.1540E-04
494	10075	Entrez Gene	HECT, UBAおよびWWドメイン含有1	32844_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.727	9.4700E-03
497	HG2238-HT232	The Institute for Genomic Research	—	34372_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.802	9.1907E-03
501	10634	Entrez Gene	増殖停止特異的2様1	329_s_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.736	9.9413E-03
503	10424	Entrez Gene	プロゲステロン受容体膜成分2	31874_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.737	7.5700E-05
504	8531	Entrez Gene	低温ショックタンパク質A	31874_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.791	1.9327E-03
505	5439	Entrez Gene	ポリラゼ(RNA)II(DNA指向性)ホリボントJ, 13.3kDa	38821_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.738	3.9496E-03
507	6227	Entrez Gene	リボソームタンパク質S21	38821_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.746	7.1002E-03
508	6169	Entrez Gene	リボソームタンパク質L38	39839_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.738	8.5534E-03
510	6218	Entrez Gene	リボソームタンパク質S17	1486_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.740	2.7928E-03
516	10638	Entrez Gene	S期応答(サイクリン)関連	1486_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.772	1.7983E-03
522	162427	Entrez Gene	仮想タンパク質LOC162427	32744_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.740	7.2902E-03
524	6202	Entrez Gene	リボソームタンパク質S8	34065_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.743	6.3557E-03
526	26003	Entrez Gene	ゴルジ再構築スナックタンパク質2, 55kDa	34592_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.745	2.8146E-03
530	4601	Entrez Gene	MAXインタクト1	1685_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.754	1.2093E-03
531	6293	Entrez Gene	液胞タンパク質ソテイング52(酵母)	38423_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.845	2.2722E-03
				38423_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.848	1.7317E-03
				31583_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.756	8.6210E-03
				35805_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.761	2.3291E-04
				35805_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.770	2.6315E-03
				654_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.793	5.2959E-03
				39072_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.839	8.8596E-03
				32658_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.856	6.8088E-03

低下診断表13

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロファイル	比較	倍率変化	P値
533	10067	Entrez Gene	分泌担体膜タンパク質3	32799_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.763	8.9345E-03
535	6203	Entrez Gene	リボソームタンパク質S9	31511_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.764	7.8708E-03
538	5036	Entrez Gene	増殖関連2G4, 38kDa	41600_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.765	6.9426E-03
539	9249	Entrez Gene	デヒドロゲナーゼ/リダクターゼ (SDR7ファミリー) メンバ-3	40782_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.765	6.4510E-03
540	1337	Entrez Gene	シクロオキシゲナーゼサブユニットVlaホリヘンチ1	41206_f_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.768	1.7789E-03
543	203089	Entrez Gene	R3Hドメインおよびコイル含有1	35156_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.769	8.4083E-03
545	23294	Entrez Gene	アングリニン反復およびスチリル $\alpha$ モチーフ/メイン含有1	40971_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.796	3.4853E-03
547	1937	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子Y	1676_s_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.771	8.5875E-03
549	147179	Entrez Gene	WIREタンパク質	40787_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.772	8.6910E-04
558	3163	Entrez Gene	ヘムオキシゲナーゼ(テサイクリン)2	37816_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.781	9.4119E-03
559	22864	Entrez Gene	KUAA1002タンパク質	41356_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.781	8.7647E-03
562	9903	Entrez Gene	ケルチン様21(シロウシヨウイ)	37230_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.785	5.6275E-03
563	5236	Entrez Gene	ホスホグルコムタゼ1	37230_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.812	4.4808E-03
565	2975	Entrez Gene	基本転写因子III $\alpha$ , ホリヘンチ1, $\alpha$ 220kDa	32210_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.789	7.7233E-03
566	10956	Entrez Gene	骨肉腫増幅	35671_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.791	3.1660E-03
569	527	Entrez Gene	ATPアーゼ、プロトン輸送型、リソソーム型16kDa, VOサブユニットc	36996_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.791	9.0785E-03
570	8720	Entrez Gene	膜結合型転写因子ヘンチターゼ、部位1	36996_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.818	6.2854E-03
572	286440	Entrez Gene	仮想タンパク質LOC286440	36994_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.794	8.6116E-03
573	6136	Entrez Gene	リボソームタンパク質L12	41855_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.796	8.4134E-03
575	445	Entrez Gene	アルブミンタンパク質L35	33568_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.797	2.3409E-03
576	11224	Entrez Gene	キニコン/糖合成酵素	40541_at	Day 7 Peri/ Day 3 Peri	0.798	7.5623E-03
				41765_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.800	6.9298E-03

低下診断-表13

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロファイルID	比較	倍率変化	P値
578	4779	Entrez Gene	核因子(赤芽球由来2)様1	38439_at	Day 7 Per/ Day 0 Per	0.811	5.5209E-03
579	149603	Entrez Gene	リンクフィンカタンパク質187	39722_at	Day 3 Per/ Day 0 Per	0.812	7.5346E-03
580	8818	Entrez Gene	トリニルン酸マンシル転移酵素ホリヘブチド2、 調節サブユニット	38726_at	Day 7 Per/ Day 3 Per	0.814	3.7920E-03
581	823	Entrez Gene	カルパイン1、(mu/l)大サブユニット	33908_at	Day 7 Per/ Day 3 Per	0.815	9.2186E-03
583	6720	Entrez Gene	スラロル制御領域結合転写因子1	32135_at	Day 3 Per/ Day 0 Per	0.819	6.4366E-03
584	23633	Entrez Gene	カリオエリンα6(インホルンα7)	40275_at	Day 3 Per/ Day 0 Per	0.824	1.6981E-03
				40275_at	Day 7 Per/ Day 0 Per	0.847	5.5244E-03
585	23481	Entrez Gene	pescadilloホモログ1、BRCTドメイン含有 (セアラフィッシュ)	41889_at	Day 7 Per/ Day 0 Per	0.831	9.3885E-03

10

20

30

40

低下診断表14

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロファイルID	比較	倍率変化	P値
300	22883	Entrez Gene	カルシニン1	41498_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.777	3.9252E-03
458	10278	Entrez Gene	胎児性Fyn結合基質	33883_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.706	2.0000E-05
476	949	Entrez Gene	クラスBスルホトランスフェラーゼ受容体、メンバー	33883_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.716	6.1273E-04
				41200_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.720	1.3768E-03
				41200_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.721	1.6250E-03

【 0 3 2 6 】

10

20

30

40

低下診断表15

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
24	2053	Entrez Gene	細胞質エホキント加水分解酵素2	41473_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.521	6.6949E-03
378	10014	Entrez Gene	ヒストンH3セチンゼ5	38810_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.778	7.8738E-03
578	4779	Entrez Gene	核因子(赤芽球由来2)様1	38810_at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.784	9.3572E-04
				38439_at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.811	5.5208E-03

【 0 3 2 7 】

10

20

30

40

低下診断表16

遺伝子番号	公開識別子	テータリス	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
102	6038	Entrez Gene	リボヌクレオチド RNA7セア7ミリ-4	32664 at	Day 3 Peri/ Day 0 Peri	0.636	5.8524E-04
				32664 at	Day 7 Peri/ Day 0 Peri	0.691	3.6796E-03

10

20

30

40

低下診断表17

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
13	125	Entrez Gene	7Lコルデヒト「ロケナセ」1B(クラスI), $\beta$ ホリ「ブ」	35730_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.252	5.3255E-03
21	3131	Entrez Gene	肝白病因子	38527_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.556	5.7849E-03
53	10443	Entrez Gene	仮想遺伝子CG012	1532_g_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.590	5.2680E-03
65	51601	Entrez Gene	乳酸転移酵素1	37441_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.432	3.4529E-03
90	6824	Entrez Gene	転写伸長因子B(SM), ホリ「ブ」3(110kDa, ID「キ」)	32049_f_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.469	3.1906E-03
121	1158	Entrez Gene	カ「ア」チン「キ」ナセ、筋肉	32486_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.501	6.1428E-03
146	4968	Entrez Gene	8-オキソ「ア」ニ「D」NAグ「リ」コ「ラ」ゼ	38335_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.759	6.2179E-03
157	26610	Entrez Gene	伸長タンパク質4ホモログ(S. cerevisiae)	38347_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.533	6.3391E-03
186	644	Entrez Gene	ヒ「リ」ル「シ」ル「タ」タ「セ」A	32618_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.702	5.1159E-03
193	23107	Entrez Gene	セ「ン」・「ン」・「ア」フ「セ」チ「ア」ホモログ1(シ「ヨ」ク「ヨ」ハ「エ」)	39377_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.634	9.8004E-03
197	6477	Entrez Gene	CD302抗原	32161_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.565	2.6625E-03
215	9936	Entrez Gene	アル「コ」ル「デ」ヒ「ト」ロ「ク」ナ「セ」5(ク「ラ」スIII), Xホリ「ブ」	34760_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.580	5.4948E-04
218	128	Entrez Gene	チ「レ」ド「キ」ン	37708_r_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.600	6.4350E-03
220	7295	Entrez Gene	カル「バ」ス「タ」チン	36992_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.673	4.8045E-03
224	631	Entrez Gene	活性化T細胞核因子、細胞質性、カルシ「ユ」ニ「リ」ン依存性3	41257_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.700	3.4819E-03
250	4775	Entrez Gene	SERPINE1 mRNA結合タンパク質1	40822_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.746	7.0070E-03
254	26735	Entrez Gene	ア「テ」ニ「ホ」ス「リ」ホ「シ」ル「ト」ラ「ン」ス「フ」エ「ラ」ゼ	40440_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.727	9.5681E-03
252	333	Entrez Gene	円形精子細胞塩基性タンパク質1	34310_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.619	3.4883E-03
267	54665	Entrez Gene	KIAA0368	37828_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.826	4.8045E-03
282	23392	Entrez Gene	グル「タ」ミ「ル」ハ「ブ」チ「ト」ク「ロ」ラ「ン」ス「フ」エ「ラ」ゼ(グル「タ」ミ「ル」シ「ク」ラ「セ」)	34414_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.644	5.3735E-03
290	25797	Entrez Gene	6「セ」ル「ホ」ル「ト」ラ「ト」ロ「フ」チ「ン」合「成」酵「素」/肝細胞核因子1 $\alpha$ 二量体化因子(TCF1)	35966_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.663	6.8919E-03
291	5092	Entrez Gene	翻訳開始因子su1ホモログ	34352_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.704	1.5882E-03
298	10289	Entrez Gene	カル「キ」シ「エ」ラ「セ」2(腸、肝臓)	33351_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.624	5.2711E-04
316	8824	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1 $\epsilon$ 1	40882_at	Day 7 Peri / Day 7 Intra	0.635	8.8901E-03
341	9521	Entrez Gene	転写因子BTF3ホモログ類似3	40587_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.697	4.8656E-04
351	132550	Entrez Gene	CtpA「セ」リ「ン」分「解」ハ「ブ」タ「セ」、ATP依存性、タンパク質分「解」ユ「ニ」ル「ホ」モ「ロ」グ(大腸菌)	31519_f_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.653	9.2891E-03
366	8192	Entrez Gene	「エ」チ「シ」ン「三」連「残」基「ス」ル「オ」チ「ト」結「合」タン「バ」ク「質」1	32528_at	Day 7 Peri / Day 7 Intra	0.661	7.3475E-03
370	3094	Entrez Gene	NADH「ヒ」ド「ロ」ク「ナ」セ(ヒ「ド」キ「ン」)1 $\alpha$ サ「ク」コ「グ」レ「ウ」ス、1.75kDa	1009_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.704	8.1604E-03
385	4694	Entrez Gene	PRP4 mRNA前駆体「プ」ロ「セ」ン「グ」因「子」4ホモログ(酵母)	36169_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.754	3.5482E-03
403	9128	Entrez Gene	SWAP-70タンパク質	37936_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.809	4.3656E-03
410	23075	Entrez Gene	リ「ホ」ム「タ」ム「タ」ン「バ」ク「質」L15	31869_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.884	5.9806E-03
413	6138	Entrez Gene		32433_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.886	4.8021E-03

10

20

30

40

低下診断表17

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
417	9759	Entrez Gene	ヒストンH4セテラゼ4	38271_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.776	6.2327E-03
418	4676	Entrez Gene	ヌクレオソム集合タンパク質1様4	32575_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.820	9.3028E-03
419	5425	Entrez Gene	ホリメラーゼ(DNA指向性)、δ2、制御サブユニット50kDa	1470_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.589	5.7659E-03
439	2549	Entrez Gene	GRB2関連結合タンパク質1	33997_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.731	4.0375E-03
442	23385	Entrez Gene	ニコスリン	34835_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.790	4.8084E-03
452	539	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、ミトコンドリアF1複合体、 Oサブユニット(ホリコマイン感受性付与タンパク質)	37029_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.701	5.7342E-03
462	51635	Entrez Gene	テトリコゲナーゼ/ルタクターゼ(SDR7ファミリーメンバー7)	39814_s_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.740	6.9403E-03
470	3184	Entrez Gene	ヘテロ核ヒスチオニンタンパク質(AUリッチ領域RNA結合タンパク質1, 37kDa)	38016_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.714	4.2703E-03
480	HG1614, HT161	The Institute for Genomic Research	—	954_s_at	Day 7 Peri / Day 7 Intra	0.747	1.0730E-03
488	22934	Entrez Gene	リボース5-リン酸異性化酵素A(リボース5-リン酸エピメラーゼ)	38036_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.729	4.9732E-03
490	11311	Entrez Gene	液胞タンパク質ソニンク45A(酵母)	35779_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.731	7.1397E-03
511	9540	Entrez Gene	腫瘍タンパク質p53誘導タンパク質3	36079_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.746	5.1335E-03
527	9724	Entrez Gene	UTP14、U3核内低分子リボヌクレオタンパク質、ホモログC(酵母)	39405_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.760	3.9078E-03
534	5437	Entrez Gene	ホリメラーゼ(RNA)(DNA指向性)ホリメラーゼH	35631_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.772	5.4217E-03
541	23523	Entrez Gene	RUNおよびSH3ドメイン含有1	34264_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.768	9.1280E-03
553	8480	Entrez Gene	RAE1 RNA搬出1ホモログ(S. pombe)	32788_g_at	Day 7 Peri / Day 7 Intra	0.786	2.2519E-03
571	3151	Entrez Gene	高移動度群ヌクレオソム結合ドメイン2	41231_f_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.827	4.3201E-03
585	7534	Entrez Gene	クロマチンホリメラーゼ/トリプトファン5-モノキシンナーゼ活性化 タンパク質、ホリメラーゼ	1235_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.853	7.0175E-03

低下診断-表18

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
220	7295	Entrez Gene	チロドキシ	36992_at	Day 3 Peri / Day 3 Intra	0.673	4.8045E-03

10

20

30

40

低下診断表19

Seq_ID	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
250	4775	Entrez Gene	活性化T細胞核因子、細胞質性、カルシウム依存性3	40822_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.746	7.0070E-03
417	9759	Entrez Gene	ヒストンH4セアラゼ4	38271_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.776	6.2327E-03
490	11311	Entrez Gene	液胞タンパク質リディング45A(酵母)	35779_at	Day 0 Peri / Day 0 Intra	0.731	7.1397E-03

10

20

30

40

低下診断表20

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
1	4250	Entrez Gene	セクレトリン、ファミリー2A、メンバー2	36329_at 36329_at 36329_at 36329_at	Day 0 Intra / Day 0 Control Day 3 Intra / Day 3 Control Day 7 Intra / Day 7 Control Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.009 0.017 0.021 0.023	7.1701E-04 3.3179E-04 2.8985E-03 2.7212E-03
2	5304	Entrez Gene	プロラチン誘導タンパク質	41094_at 41094_at 41094_at	Day 0 Intra / Day 0 Control Day 7 Intra / Day 7 Control Day 3 Intra / Day 3 Control	0.032 0.076 0.094	5.1676E-04 9.5561E-03 1.9791E-04
3	10647	Entrez Gene	セクレトリン、ファミリーD、メンバー2	32880_at 32880_at 32880_at 32880_at 32880_at 325_s_at 325_s_at 325_s_at 325_s_at 38430_at 38430_at	Day 0 Intra / Day 0 Control Day 7 Intra / Day 7 Control Day 3 Intra / Day 3 Control Day 0 Intra / Day 0 Control Day 7 Intra / Day 7 Control Day 3 Intra / Day 3 Extra Day 3 Intra / Day 3 Extra Day 7 Intra / Day 7 Control Day 3 Intra / Day 3 Control Day 0 Intra / Day 0 Control Day 7 Intra / Day 7 Extra Day 7 Intra / Day 7 Control	0.033 0.065 0.075 0.102 0.038 0.060 0.073 0.091 0.053 0.075	4.4000E-05 7.5456E-03 8.2511E-04 5.4085E-03 6.4553E-03 1.7598E-03 2.6304E-04 6.8631E-04 1.3371E-03 4.2884E-03
4	HG1763-HT178	The Institute for Genomic Research	---	35721_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.062	4.4497E-03
5	2167	Entrez Gene	脂肪細胞型脂肪酸結合タンパク質4	33272_at 33272_at 32190_at 32190_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra Day 7 Intra / Day 7 Extra Day 0 Intra / Day 0 Peri Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.069 0.117 0.081 0.201	6.8147E-03 4.3324E-03 5.6381E-04 7.6424E-03
6	3283	Entrez Gene	ヒドロキシ- $\Delta^5$ -ステロイド脱水素酵素、 $3\beta$ -およびステロイドテルタイロラゼ1	37430_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.096	4.5492E-03
7	6288	Entrez Gene	血清アミロイドA1	34190_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.129	1.8089E-03
8	9415	Entrez Gene	脂肪酸不飽和化酵素2	700_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.143	4.4849E-03
9	247	Entrez Gene	アラキドン酸15-リホキシゲナーゼ、2	35730_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.162	9.2302E-03
10	1690	Entrez Gene	凝固因子Cホドグ、コリリン(Limulus polyphemus)	37635_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.206	2.8404E-03
12	HG371-HT2638	The Institute for Genomic Research	---	35569_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.243	7.7786E-03
13	125	Entrez Gene	アルコールデヒドロゲナーゼ1B(クサD、 $\beta$ ホリハブナド)	35717_at 35717_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.279	3.1166E-03
16	L09190	GenBank	ホモ・サピエンス(ヒト)のPlacentaCol25均一化の完全長cDNAクローンCSDD1027YJ05	35717_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.305	5.8783E-04
18	7123	Entrez Gene	C型リチンドメインファミリー3、メンバーB				
19	10351	Entrez Gene	ATP結合カゼン、サブファミリーA(ABC1)、メンバーB				

低下診断表20

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
20	AB011538	GenBank	CDNAクローニングIMAGE:5922621	35324_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.280	3.8006E-03
21	3131	Entrez Gene	肝白血病因子	38627_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.289	1.1838E-03
23	4211	Entrez Gene	Meis1, 骨髄性エリトロポエティン受容体配対因子1 (Meis1, 骨髄性エリトロポエティン受容体配対因子1)	38627_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.325	6.7101E-03
24	2053	Entrez Gene	細胞質エボキント加水分解酵素2	40763_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.324	4.5206E-03
25	4253	Entrez Gene	CTAGE7ファミリーメンバー5	41473_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.327	3.5922E-03
26	5271	Entrez Gene	セリンプロテアーゼ阻害剤クレトB (オホアルブミン) クレトB	41615_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.330	3.8946E-03
27	3119	Entrez Gene	主要組織適合性複合体クラスII DQβ1	36312_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.482	4.6083E-03
30	3685	Entrez Gene	ケラチン毛髪酸性4	36878_f_at	Day 0 Intra/ Day 0 Control	0.350	9.9663E-03
32	11075	Entrez Gene	スタスミン様2	34012_at	Day 0 Intra/ Day 0 Peri	0.352	4.5590E-03
33	3075	Entrez Gene	補体因子H	38800_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.356	5.6882E-03
34	10458	Entrez Gene	BAI1結合タンパク質2	32250_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.356	2.4648E-03
35	9086	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子1A, Y連鎖	37760_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.799	8.1747E-03
36	2273	Entrez Gene	41/2LJM1-メイン1	40097_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.358	8.6154E-03
40	4223	Entrez Gene	間葉細胞因子2(成長停止特異的ホモログ)	32542_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.367	5.7500E-03
41	3400	Entrez Gene	DNA結合阻害因子4, トリニトカチンヘリックス-ループヘリックスタンパク質	40398_s_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.376	7.2046E-03
43	8710	Entrez Gene	セリンプロテアーゼ阻害剤、クレトB (オホアルブミン) クレトB	41536_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.381	8.0900E-05
44	2194	Entrez Gene	脂肪酸シタセ	41536_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.410	2.1354E-03
47	406	Entrez Gene	アリル炭化水素受容体核内輸送体様	41536_at	Day 3 Intra/ Day 3 Control	0.488	2.0560E-03
48	9452	Entrez Gene	内在性膜タンパク質2A	35577_at	Day 0 Intra/ Day 0 Control	0.489	6.7433E-03
49	63928	Entrez Gene	肝細胞癌抗原遺伝子520	35577_at	Day 3 Intra/ Day 3 Control	0.566	9.3574E-03
51	5354	Entrez Gene	プロテオリトタンパク質1 (ヘリックス-ループヘリックスタンパク質、癌性対麻痺2型、単純性)	38429_at	Day 0 Intra/ Day 0 Peri	0.386	9.3714E-03
				36896_s_at	Day 3 Intra/ Day 3 Control	0.391	9.1974E-03
				40775_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.392	3.3491E-03
				40775_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.400	2.0273E-03
				33007_at	Day 3 Intra/ Day 3 Control	0.466	7.7206E-03
				41158_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.403	1.1357E-04
				41158_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.503	1.7500E-03

【 0 3 3 4 】

10

20

30

40

低下診断表20

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
54	224	Entrez Gene	アルデヒド脱水素酵素377ミリ-マンバ-A2	40409_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.410	5.0007E-03
55	90634	Entrez Gene	仮想遺伝子CG018	40409_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.465	8.5061E-04
57	23242	Entrez Gene	コレラト-ブルホモドク(マウス)	34239_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.472	5.9625E-03
61	M11119	GenBank		35669_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.414	5.3389E-03
62	9587	Entrez Gene	GREB1タンパク質	35669_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.417	3.3877E-03
63	51097	Entrez Gene	サカロピン脱水素酵素(推定)	38850_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.522	4.0595E-04
67	9145	Entrez Gene	シフトキリン1	38875_r_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.428	8.8745E-03
68	1117	Entrez Gene	キナーゼ3様2	34862_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.428	1.0961E-04
69	13	Entrez Gene	アリアルアミド脱アセチル酵素(エストラゼ)	35354_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.432	1.9735E-03
73	57798	Entrez Gene	GATA3タンパク質(含有1)	35354_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.469	5.7597E-03
75	26	Entrez Gene	アミロイド結合タンパク質(アミロキナーゼ(銅含有))	31891_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.432	5.3219E-04
76	AL080082	GenBank	MRNA: cDNA DKFZs564G1162 (par-3) DKFZp564G1162由来	36512_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.434	1.5905E-04
79	56288	Entrez Gene	par-3タンパク質欠陥3ホモドク(C. elegans)	34195_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.441	6.2766E-04
80	26154	Entrez Gene	ATP結合ドメイン, サラアミドA(ABC1), マンバ-12	37186_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.443	5.1668E-03
82	1410	Entrez Gene	クリスリン, αB	35581_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.444	9.2254E-03
84	10733	Entrez Gene	ホロキナーゼ4(シグナルトランスドュクション)	40873_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.533	5.0405E-03
85	8848	Entrez Gene	TSC22ドメインタンパク質-マンバ-1	31754_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.557	5.7474E-03
87	5264	Entrez Gene	フィラリコアルデヒド脱ヒドロキナーゼ(レブサム病)	32243_q_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.468	5.9480E-03
88	10529	Entrez Gene	ネフレル	975_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.455	5.4588E-03
89	60481	Entrez Gene	ELOVL7タンパク質-5, 長鎖脂肪酸伸長 (FEN1/Elo2, SUR4/Elo3様, 酵母)	39032_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.465	1.8273E-03
91	10248	Entrez Gene	前駆体プロセッシング7, 1ホロキナーゼ(サバニョクS. cerevisiae)	32724_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.465	4.1244E-03
92	1545	Entrez Gene	シロイロP450, フラミド-1, サラアミドB, ホロキナーゼ1	34873_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.466	5.5136E-03
93	1152	Entrez Gene	クリスリンタンパク質-脳	33921_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.468	8.7794E-03
				32213_at	Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.470	9.0083E-03
				40071_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.471	9.8480E-03
				40863_r_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.472	4.0142E-03

【 0 3 3 5 】

10

20

30

40

低下診断表20

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
94	10450	Entrez Gene	ヘプタリブリン異性化酵素E(シクロフィリンE)	34385_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.518	4.1270E-03
96	10090	Entrez Gene	ウロニル2-スルホトランスフェラーゼ	41859_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.474	1.8927E-03
98	352961	Entrez Gene	MHCクラスIImRNAアフラメント3.8-I	41859_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.521	1.4198E-04
99	10314	Entrez Gene	LANCタンパク質タンパク質成分C様1(細菌)	34934_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.479	6.5297E-03
100	10628	Entrez Gene	タンパク質結合タンパク質	39441_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.488	6.0119E-04
102	6038	Entrez Gene	リボヌクレアーゼ、RN7-ゼンアミラーゼ	31508_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.482	9.0159E-03
104	6414	Entrez Gene	セリンプロテアーゼ、血漿	32664_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.483	2.7472E-03
105	9987	Entrez Gene	ヘテロ核RNA-タンパク質D様	34363_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.569	4.9291E-04
107	4163	Entrez Gene	大腸癌変異	32393_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.489	1.9407E-03
111	2947	Entrez Gene	グルタチオンS-トランスフェラーゼ(M3(脳))	35561_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.489	6.2800E-05
114	8864	Entrez Gene	ヒトホモログ2(シロイン、ヨハエ)	1120_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.494	7.1503E-03
117	104	Entrez Gene	アデノジンアミンナーゼ、RNA特異的、B1 (RED1タンパク質)	35008_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.497	4.3990E-03
119	6662	Entrez Gene	SRP(性決定領域Y)ホックス9(屈曲肢異形成症、常染色体逆性)	38748_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.541	1.9004E-03
122	9831	Entrez Gene	シクアインガンタンパク質623	33436_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.521	8.5777E-03
123	1573	Entrez Gene	シクアインガンタンパク質623	39954_s_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.505	3.3609E-03
124	22982	Entrez Gene	KIAA0934	501_g_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.529	4.2791E-03
125	51710	Entrez Gene	シクアインガンタンパク質44(KOX7)	33408_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.506	3.1621E-03
126	2533	Entrez Gene	FYN結合タンパク質(FYB-120/130)	35409_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.507	5.1572E-03
127	9857	Entrez Gene	中心体結合タンパク質350	41819_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.507	3.0115E-03
128	9881	Entrez Gene	NUAKファミリー、SNF1様キナーゼ、1	33805_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.508	4.3400E-05
131	23051	Entrez Gene	シクアインガンおよびホモホックス3	33787_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.508	1.4528E-03
133	3422	Entrez Gene	インペニン2(リン酸Δイミダゼ1)	40461_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.513	6.7006E-04
134	7728	Entrez Gene	シクアインガンタンパク質175	40451_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.509	6.3266E-03
135	36	Entrez Gene	タンパク質結合タンパク質175	36985_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.515	5.4407E-03
139	10965	Entrez Gene	アミルコアチオスチラーゼ2	37500_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.515	4.1859E-03
140	10284	Entrez Gene	Sim3結合タンパク質、18kDa	40873_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.515	1.3879E-03
				36625_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.518	7.3351E-04
				41277_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.520	2.4318E-03

【 0 3 3 6 】

10

20

30

40

【 0 3 3 7 】

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	7ローID	比較	倍率変化	P値
143	7073	Entrez Gene	TIA1細胞傷害性顆粒結合RNA結合タンパク質様1	41761_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.521	4.5836E-03
145	8853	Entrez Gene	増殖・分化促進因子2	39410_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.521	2.9990E-03
146	4968	Entrez Gene	8-オキソグアニンDNAグリコシラゼ	38335_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.522	7.5868E-04
147	2110	Entrez Gene	電子伝達ラネタンパク質複合体ロゲナゼ	38335_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.626	6.6349E-03
151	55187	Entrez Gene	液胞タンパク質ソテイング13D(酵母)	33494_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.523	1.1689E-03
153	9140	Entrez Gene	ATG12ホトアゲン-関連12ホド(S. cerevisiae)	32743_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.527	2.5585E-03
155	23506	Entrez Gene	KIAA0240	32720_at	Day 3 Intra/ Day 3 Peri	0.530	2.7861E-04
158	6595	Entrez Gene	SWI/SNF-関連、ミトコンドリア結合、アクリン依存性クロマチン調節因子、サブミリ、メンバ-2	38892_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.531	5.3954E-03
159	5110	Entrez Gene	タンパク質L-イソバシスリン酸D-アスパラギン酸O-メチル基転移酵素	37737_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.534	2.8151E-03
161	201229	Entrez Gene	仮想タンパク質LOC201229	39557_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.535	2.3843E-03
162	22909	Entrez Gene	KIAA1018タンパク質	38458_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.536	6.1234E-03
163	51099	Entrez Gene	アトロセトメイン含有5	33309_at	Day 3 Intra/ Day 3 Peri	0.536	9.8735E-03
164	114882	Entrez Gene	オキシステロイド結合タンパク質様8	41438_at	Day 3 Intra/ Day 3 Peri	0.536	3.0621E-03
166	10653	Entrez Gene	セルペンチナーゼ阻害剤、クニツタフ、2	34348_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.599	5.3002E-03
168	399563	Entrez Gene	仮想タンパク質FLJ43806	37151_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.542	7.7014E-03
171	1662	Entrez Gene	DEAD(Asp-Glu-Ala-Asp)ホックスリペプチド10	631_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.544	5.2360E-03
172	5130	Entrez Gene	リン酸シチリトランスフェラーゼ1、コリン、α	39285_at	Day 0 Intra/ Day 0 Peri	0.545	2.3355E-03
174	26235	Entrez Gene	Fホックスおよびβロニンリチリル-タンパク質4	39987_at	Day 7 Intra/ Day 7 Peri	0.546	3.2958E-03
176	202	Entrez Gene	absentimelanonal	32112_s_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.617	9.6499E-03
177	9174	Entrez Gene	BC12結合転写因子1	38050_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.547	4.7051E-03
181	4232	Entrez Gene	中胚葉特異的転写産物ホド(マウス)	37749_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.553	9.8929E-04
182	2145	Entrez Gene	zesteのインハンサホド(シロコニョハ、I)	32259_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.554	8.0450E-03
184	U73737	GenBank	—	1017_at	Day 3 Intra/ Day 3 Peri	0.556	4.6650E-03
189	10300	Entrez Gene	カニニホ80(WD反復含有)サリユニットB1	40976_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.559	9.1699E-03

低下診断-表20

遺伝子番号	公開臓別子	データベース	遺伝子名	プロファイルID	比較	倍率変化	P値
190	55651	Entrez Gene	核小体タンパク質ファミリーA、メンバー(H/ACA核小体低分子RNA)	41322_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.675	9.6475E-03
198	57209	Entrez Gene	シグナルタンパク質248	35139_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.565	2.1978E-03
200	8349	Entrez Gene	Histon2, H2be	33352_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.570	6.1256E-03
201	171546	Entrez Gene	第14染色体オランディングフレーム147	33352_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.617	5.0561E-03
203	115817	Entrez Gene	テトリゲナセ/リグナセ(SDR7ファミリー)	33399_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.656	8.8383E-03
211	8315	Entrez Gene	BRCA1結合タンパク質	39103_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.592	1.8258E-03
212	8623	Entrez Gene	アセチルセロニン-O-メチルトランスフェラーゼ様	41512_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.577	1.1128E-03
213	169611	Entrez Gene	オルファクトリン様2A	41512_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.677	7.0812E-04
214	11066	Entrez Gene	U11/U12 snRNP 35K	36553_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.578	7.1773E-04
217	987	Entrez Gene	LPS応答性小胞輸送、ヒトおよびマウス含有	38312_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.579	3.6248E-03
218	128	Entrez Gene	アルコホール脱ヒドロゲナーゼ(クラスII)、Xホリホフド	41029_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.589	7.2521E-03
219	65055	Entrez Gene	第2染色体オランディングフレーム23	35371_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.652	2.1271E-03
221	5917	Entrez Gene	アルギニールRNA合成酵素	37708_r_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.582	8.9780E-03
223	2621	Entrez Gene	増殖停止特異的36	36086_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.583	2.9762E-03
224	831	Entrez Gene	カルバスターン	549_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.584	6.5983E-03
225	5927	Entrez Gene	十文字、ATリナー相互作用ドメイン1A(RBBP2様)	1597_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.585	6.6299E-03
226	2824	Entrez Gene	糖タンパク質M6B	41257_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.585	5.3045E-04
227	1153	Entrez Gene	低温誘導性RNA結合タンパク質	1785_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.585	3.1353E-03
230	AB006780	GenBank	リチンガラ外阻結合性、可溶性、3(カクチン3)///カクチン3内在遺伝子	37251_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.586	8.6602E-03
231	6829	Entrez Gene	転写因子3(E2A免疫グロブリンエンハンサー因子E12/E47)	39864_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.587	2.1268E-03
236	HG3254-	The Institute for Genomic Research	unc-84ホモログA(C. elegans)	36864_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.611	6.9554E-03
242	23353	Entrez Gene	Sp3転写因子	35367_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.590	8.4864E-03
244	6670	Entrez Gene	FOS様抗原2	1373_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.590	2.7482E-03
247	2355	Entrez Gene	毛細血管拡張運動失調症およびRad3関連	1163_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.591	5.8759E-03
249	545	Entrez Gene		35588_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.594	2.9354E-03
				41573_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.594	6.5653E-03
				40268_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.596	5.8255E-03
				37229_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.597	5.8822E-03

低下診断表20

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プライムID	比較	倍率変化	P値
251	8776	Entrez Gene	ミオジュリン関連タンパク質1	34654_at 34654_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra Day 3 Intra / Day 3 Control	0.598 0.631	1.6698E-03 5.7609E-03
253	AL080234	GenBank	ホモサピエンス(ヒト)の胎児肝臓の完全長 cDNA/アポCS00DM001YA04	38070_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.598	4.0826E-03
255	23234	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ, サブファミリーC, メンバ-9	41569_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.615	8.2268E-03
256	94239	Entrez Gene	ヒストンH2Aファミリー, メンバ-V	39046_at 39046_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.600 0.650	7.9321E-03 5.0612E-03
257	AI557912	GenBank	ミコンリリア外膜トランスロセ7ホモログ (酵母)///仮想タンパク質LOC201725	39025_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.601	3.8343E-03
261	6651	Entrez Gene	SONDNA結合タンパク質	39025_at 39096_at 39096_at 39096_at	Day 7 Intra/ Day 7 Control Day 7 Intra/ Day 0 Intra Day 7 Intra/ Day 7 Peri Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.727 0.607 0.641 0.710	5.2071E-03 3.4000E-03 4.2992E-03 4.2168E-03
263	6427	Entrez Gene	スプラジック因子, アルギニン/セリンリッチ2	36111_s_at 36111_s_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.865 0.709	1.5173E-04 6.0918E-03
264	221749	Entrez Gene	第6染色体オプテリディングフレム145	34246_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.608	3.6829E-03
267	54865	Entrez Gene	円形精子細胞塩基性タンパク質1	37828_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.610	7.6572E-04
270	3301	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ, サブファミリーA, メンバ-1	38118_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.611	5.7425E-03
272	22826	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ, サブファミリーC, メンバ-8	36166_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.812	5.7794E-03
273	23090	Entrez Gene	ジンクフィンガ-タンパク質423	34950_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.623	7.6235E-03
274	64112	Entrez Gene	アポトシスモジュレーター	34767_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.614	4.4658E-03
275	10497	Entrez Gene	unc-13ホモログB(C. elegans)	40087_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.769	3.3634E-03
282	23392	Entrez Gene	KIAA0368	34414_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.616	1.2683E-03
283	5934	Entrez Gene	網膜芽細胞腫様2(p130)	32597_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.616	8.7510E-03
284	4781	Entrez Gene	核因子1/B	41229_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.616	3.0477E-03
288	3418	Entrez Gene	イソリン酸脱水素酵素2(NADPH), ミコンリリア型	32332_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.617	1.2980E-03
289	9	Entrez Gene	N-アセチルトランスアセチル(7)リボシミン	38187_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.619	5.7524E-03
290	25797	Entrez Gene	グルタミルペプチドシンクドトランスアセチル(グルタミルシンクド)	35968_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.618	4.9522E-03
297	6868	Entrez Gene	MCM3ニ染色体維持欠陥3 (S. cerevisiae)関連タンパク質	40469_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.624	4.8160E-03

10

20

30

40

低下診断表20

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
298	10289	Entrez Gene	翻訳開始因子sui1ホモログ	33351_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.673	1.7268E-03
302	24139	Entrez Gene	棘皮動物微小管結合タンパク質様2	41326_s_at	Day 0 Intra/ Day 0 Peri	0.627	4.4037E-03
305	23351	Entrez Gene	KIAA0323	32592_at	Day 0 Intra/ Day 0 Control	0.679	8.2136E-03
310	22903	Entrez Gene	BTB(P0Z)ドメイン含有3	37755_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.631	9.7703E-03
311	4881	Entrez Gene	神経芽細胞腫、腫瘍抑制1	37005_at	Day 0 Intra/ Day 0 Peri	0.631	3.2813E-03
312	10301	Entrez Gene	リンパ性白血病欠失1	33791_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.631	8.9965E-03
313	AF052138	GenBank	FLJ35348//プロトドメイン含有3	33791_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.726	6.7457E-03
315	8930	Entrez Gene	メチル化CpG結合ドメインタンパク質4	41841_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.632	4.2490E-03
319	1428	Entrez Gene	クリスピン、μ	34386_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.634	3.7388E-03
320	10614	Entrez Gene	ヘキサレンヒスチジン誘導1	38285_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.636	1.2448E-03
324	1340	Entrez Gene	シクロオキシゲナーゼサブユニットVbホリヘンチ1 (ヒトキヌ)	40872_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.698	6.3894E-03
329	4026	Entrez Gene	好ましい転座パター含有する脂肪腫 LIMF-1	41195_at	Day 3 Intra/ Day 3 Peri	0.639	3.3595E-03
334	6230	Entrez Gene	リボソームタンパク質S25	31573_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.643	9.4033E-03
337	27067	Entrez Gene	スクリュー、RNA結合タンパク質、ホモ2(シロウジカハ)	38341_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.645	8.2036E-03
341	9521	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1 ε 1	40587_s_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.647	1.9928E-03
342	1054	Entrez Gene	CCAAT/エンハンサ結合タンパク質(C/EBP)	39219_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.676	1.0916E-03
352	8732	Entrez Gene	RNA77ニトリトランスクリプターおよび5'-ホスファゼ	35202_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.654	1.2688E-03
356	51567	Entrez Gene	TRAFおよびTNF受容体結合タンパク質	34825_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.655	3.0500E-05
360	3298	Entrez Gene	熱ショック転写因子2	202_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.656	7.1609E-03
361	4877	Entrez Gene	アミラーゼ、RNA結合タンパク質、ホモ2(シロウジカハ)	41241_at	Day 0 Intra/ Day 0 Control	0.658	3.0519E-03
363	23384	Entrez Gene	KIAA0376タンパク質	34837_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.659	2.3071E-03
365	6635	Entrez Gene	核内低分子リボスクレオタンパク質ホリヘンチE	36679_g_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.661	3.7759E-04
369	7004	Entrez Gene	TEAT'メイトミナリナパ-4	36679_g_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.697	1.8000E-06
371	4832	Entrez Gene	非転移性細胞3、発現タンパク質	41037_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.710	7.7243E-03
				41037_at	Day 0 Intra/ Day 0 Peri	0.755	4.0427E-03
				197_at	Day 3 Intra/ Day 3 Control	0.663	6.9863E-03

【 0 3 4 0 】

10

20

30

40

低下診断表20

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
372	10557	Entrez Gene	リボヌクレオチドリン酸合成酵素1	41040_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.667	4.5174E-03
373	26156	Entrez Gene	リボヌクレオチドリン酸合成酵素2	39418_at	Day 7 Intra / Day 3 Extra	0.691	5.6288E-03
376	26053	Entrez Gene	自閉症感受性候補2	35648_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.667	3.9622E-03
377	56339	Entrez Gene	好中球アスファレンス様3	32244_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.667	8.6345E-04
382	10038	Entrez Gene	好中球アスファレンス様3	32244_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.726	7.6780E-03
386	10904	Entrez Gene	ホリ(ADP)リボースホリマラーゼファミリーメンバー2	34756_g_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.669	7.1429E-03
387	7411	Entrez Gene	膀胱癌関連タンパク質	35267_g_at	Day 7 Intra / Day 0 Intra	0.672	2.1451E-03
389	1349	Entrez Gene	アノキリンリンドウ結合タンパク質1	171_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.672	7.7370E-03
391	54462	Entrez Gene	シクロオキシゲナーゼサブユニットVIIb	36687_at	Day 7 Intra / Day 3 Intra	0.673	1.8885E-03
392	80003	Entrez Gene	KIAA1128	37617_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.674	5.5416E-03
393	25972	Entrez Gene	pecanex様2(シロシノバハエ)	37617_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.696	9.3133E-03
394	64795	Entrez Gene	unc-50ホドク(C. elegans)	38550_s_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.674	6.1109E-03
397	7743	Entrez Gene	仮想タンパク質FLJ13910	39442_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.675	9.6636E-03
399	50813	Entrez Gene	シロシノバハエタンパク質189	36580_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.676	3.2610E-03
400	3156	Entrez Gene	COP9構成的光形態形成転写因子7A	36072_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.678	3.7246E-03
405	2961	Entrez Gene	3-ヒドロキシ-3-メチルグルタル-CoA還元酵素	34404_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.681	4.7805E-03
409	4170	Entrez Gene	基本転写因子IIE, ホリバ'ト'2, β 34kDa	39328_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.681	6.1525E-03
414	23112	Entrez Gene	骨髄性細胞白血病配列1(BCL2関連)	37295_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.796	1.4862E-03
417	9759	Entrez Gene	N/ヌクレオチド反復含有6B	277_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.684	9.6905E-03
418	4676	Entrez Gene	ヒストンH4セテラセ4	37487_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.688	3.9849E-03
422	1749	Entrez Gene	ヌクレオチド反復含有6B	38271_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.689	4.9833E-03
			ヌクレオチド反復含有6B	32575_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.790	4.9890E-03
			ヌクレオチド反復含有6B	41087_at	Day 3 Intra / Day 0 Intra	0.689	3.6626E-03

【 0 3 4 1 】

10

20

30

40

低下診断表20

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロトコルID	比較	倍率変化	P値
427	22794	Entrez Gene	癌感受性候補3	38437_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.692	2.7057E-03
428	322	Entrez Gene	$\beta$ 73041(A4)前駆体タンパク質結合、アミノ酸、タンパク質	38437_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.742	4.1247E-03
430	6637	Entrez Gene	核内低分子リボヌクレオタンパク質ホリホフ結合	1101_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.692	1.6594E-03
435	889	Entrez Gene	KRT11、アンキリン反復含有	37337_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.693	3.9690E-03
439	2549	Entrez Gene	GRB2関連結合タンパク質1	34031_at	Day 3 Intra/ Day 3 Peri	0.694	4.9207E-03
443	23125	Entrez Gene	カルモジュリン結合転写活性化因子2	33997_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.695	2.4091E-04
444	2926	Entrez Gene	カルモジュリン結合転写活性化因子2	33997_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.710	2.0825E-03
447	22849	Entrez Gene	グリッチRNA配列結合因子1	41421_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.696	8.6760E-03
448	10106	Entrez Gene	細胞質ホリホフタンパク質結合因子3	32595_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.696	6.0979E-03
450	10329	Entrez Gene	CTD(カルモジュリン末端ドメイン、RNAホリホフタンパク質、II、ホリホフ結合タンパク質)タンパク質	41202_s_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.698	3.5449E-03
451	26959	Entrez Gene	膜貫通タンパク質5	37445_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.700	2.4850E-03
452	539	Entrez Gene	HMGボックス転写因子1	39809_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.701	9.4669E-03
453	10542	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、ミトコンドリア複合体、Oxphos(オキシフォス)感受性付与タンパク質	37029_at	Day 7 Intra/ Day 7 Control	0.784	7.2352E-03
454	8624	Entrez Gene	B型肝炎ウイルス結合タンパク質	38054_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.782	3.3831E-03
455	5431	Entrez Gene	タンパク質重要領域遺伝子2	36088_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.704	8.0554E-03
456	22882	Entrez Gene	ホリホフ(RNA)(DNA指向性)ホリホフ結合、140kDa	39746_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.705	2.3347E-03
457	1329	Entrez Gene	シグナリンカ、およびホリホフタンパク質2	41503_at	Day 7 Intra/ Day 7 Peri	0.750	6.4066E-03
468	51020	Entrez Gene	シクロオキシゲナーゼサブユニットVb	39921_at	Day 7 Intra/ Day 7 Control	0.718	5.7364E-03
473	3054	Entrez Gene	HDTタンパク質含有2	34359_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.712	2.4876E-03
474	79026	Entrez Gene	宿主細胞因子C1(VP167セリタンパク質)	34359_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.777	2.8509E-03
479	10611	Entrez Gene	AHNKタンパク質(デスチン)	37910_at	Day 0 Intra/ Day 0 Peri	0.718	6.3341E-03
482	9813	Entrez Gene	PDZおよびLIMドメイン5	37027_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.718	8.1471E-03
489	26100	Entrez Gene	KIAA0494	37366_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.722	2.3752E-03
494	10075	Entrez Gene	WIP149様タンパク質2	41830_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.725	3.4757E-03
			HECT、UBAおよびWWドメイン含有1	33392_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.731	6.9435E-03
				34374_g_at	Day 0 Intra/ Day 0 Peri	0.733	2.9867E-03

低下診断表20

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
500	23259	Entrez Gene	DDHDF1含有2	35177_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.736	8.5771E-03
509	51304	Entrez Gene	シンクアインG、DHHC型含有3	39751_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.744	7.7468E-03
513	10541	Entrez Gene	酸性ロイシンリジンアミドヒドロラーゼ3277シ、 メハ-B	38479_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.747	1.6161E-03
515	23379	Entrez Gene	KIAA0947タンパク質	41595_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.751	2.7370E-03
519	9215	Entrez Gene	グリコシルトランスフェラーゼ様	41346_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.754	4.1376E-03
521	10241	Entrez Gene	核タンパク質	40063_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.755	7.6513E-03
526	1955	Entrez Gene	EGF様ドメイン、マルチプル5	36488_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.759	7.4685E-03
530	4601	Entrez Gene	MAXインテグラー	39072_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.762	4.0454E-03
532	1998	Entrez Gene	E74様因子2(etsドメイン転写因子)	507_s_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.763	4.9954E-03
537	7693	Entrez Gene	シンクアインGタンパク質134(クロノHPZ-15)	36285_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.764	9.8307E-03
545	23294	Entrez Gene	アンキリン反復およびシステインαモチフドメイン含有1	40971_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.769	7.4093E-03
548	5636	Entrez Gene	核スクリンヒトリン酸合成酵素関連タンパク質2	41853_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.772	9.6928E-03
550	9703	Entrez Gene	KIAA0100遺伝子産物	39783_at	Day 0 Intra/ Day 0 Peri	0.773	4.2046E-03
551	10294	Entrez Gene	DnaL(Hsp40)ホモログ、サブファミリーA、メンバー2	34201_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.775	2.1191E-03
552	9741	Entrez Gene	リソソームタンパク質膜貫通4α	39019_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.776	6.0768E-03
554	10556	Entrez Gene	リボヌクレオチドリン酸合成酵素30kDaサブユニット	39019_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.815	9.6992E-03
555	9562	Entrez Gene	マルチプルインソールホリン酸ヒスチジンホスファターゼ、1	39702_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.778	8.7433E-03
556	9528	Entrez Gene	膜貫通タンパク質59	38325_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.779	8.9541E-03
557	5326	Entrez Gene	多形膜腫遺伝子様2	39033_at	Day 3 Intra/ Day 3 Control	0.779	6.9035E-03
561	670	Entrez Gene	ピフェリル加水分解酵素様(セリン加水分解酵素、乳線上皮タンパク質関連抗原)	39033_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.787	2.6172E-04
564	51780	Entrez Gene	十文字ドメイン含有1B	40061_at	Day 3 Intra/ Day 3 Peri	0.779	7.8774E-03
568	56270	Entrez Gene	WD45様	40912_s_at	Day 0 Intra/ Day 0 Control	0.784	7.7779E-03
574	79073	Entrez Gene	仮想タンパク質MGC550B	33870_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.789	6.0517E-03
587	369	Entrez Gene	viralウイルス関連3611ウイルス構造伝子ホモログ	39185_at	Day 3 Intra/ Day 3 Control	0.792	6.7923E-03
588	23	Entrez Gene	ATP結合ドメイン、サブファミリーF(GON20)、メンバー1	39893_at	Day 3 Intra/ Day 3 Extra	0.797	7.6719E-03
589	25966	Entrez Gene	第21染色体オープンリーディングフレーム25	1708_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.832	4.3502E-04
				39141_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.837	5.3611E-03
				32107_at	Day 7 Intra/ Day 7 Extra	0.845	5.8404E-03

低下診断表20

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プログラムID	比較	倍率変化	P値
590	23644	Entrez Gene	自己抗原	35670_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.856	7.3951E-03

【 0 3 4 4 】

10

20

30

40

低下診断表21

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
1	4250	Entrez Gene	セクレトグロビン、アミリン-2A、マンバ-2	36329_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.009	7.1701E-04
				36329_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.017	3.3179E-04
				36329_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.021	2.8985E-03
2	5304	Entrez Gene	プロラチン誘導タンパク質	41094_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.032	5.1578E-04
				41094_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.076	8.5561E-03
				41094_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.094	1.8791E-04
3	10647	Entrez Gene	セクレトグロビン、アミリン-D、マンバ-2	32880_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.033	4.4000E-05
				32880_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.065	7.5459E-03
				32880_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.075	8.2511E-04
4	HG1763-HT176	The Institute for Genomic Research	---	325_s_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.060	1.7598E-03
				325_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.073	2.6304E-04
5	2167	Entrez Gene	脂肪細胞型脂肪酸結合タンパク質4	325_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.091	6.8631E-04
27	3119	Entrez Gene	主要組織適合性複合体、クラスII、DQβ1	36430_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.075	4.2884E-03
41	3400	Entrez Gene	DNA結合阻害因子4、トミナトネグロヘリックス、ルグ、ヘリックスタンパク質	36878_f_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.350	9.9683E-03
43	8710	Entrez Gene	セルビンペプチド阻害剤、クレトB(オホアルブミン)、マンバ-2	41536_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.488	2.0560E-03
47	406	Entrez Gene	アリル炭化水素受容体核内輸送体様	35577_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.489	6.7433E-03
				35577_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.566	9.3574E-03
49	63928	Entrez Gene	肝細胞癌抗原遺伝子520	36896_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.391	9.1974E-03
54	224	Entrez Gene	アルデヒド脱水素酵素37ファミリー、マンバ-A2	33007_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.466	7.7206E-03
55	90534	Entrez Gene	仮想遺伝子CG018	40409_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.410	5.0007E-03
57	23242	Entrez Gene	コルトン・ブル・モログ(マウス)	34239_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.472	5.9625E-03
79	56288	Entrez Gene	par-3ファミリー、ニシキウチノミ(シロイソナエ)	35669_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.417	3.3577E-03
88	10529	Entrez Gene	ナプレット	40973_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.533	5.0405E-03
93	1152	Entrez Gene	クレチンキナーゼ、脳	34873_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.466	5.5136E-03
94	10450	Entrez Gene	ヘプタチン・ポリリン異性化酵素E(シクロフィリンE)	40883_f_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.472	4.0742E-03
99	10314	Entrez Gene	LANCタンパク質、オキザンジンタセ成分C様(細菌)	34385_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.518	4.1270E-03
123	1573	Entrez Gene	シクロPP450、アミリン-2、サブアミリン、ホリハフド2	39441_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.488	6.0119E-04
135	36	Entrez Gene	シクロPP450、アミリン-2、サブアミリン、ホリハフド2、アミリン・タンパク質、短鎖、分枝鎖	501_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.529	4.2791E-03
				40673_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.515	1.3679E-03

【 0 3 4 5 】

10

20

30

40

低下診断表21

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
139	10665	Entrez Gene	アシルCoAオキシラーゼ2 H2be	35625_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.518	7.3351E-04
200	8349	Entrez Gene		33352_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.570	6.1256E-03
203	115817	Entrez Gene	デヒドロゲナーゼ/ダクタゼ (SDR7ファミリー) ムンハ-1	39103_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.592	1.8258E-03
217	987	Entrez Gene	LPS応答性小胞輸送、ヒチおよびアノカ含有	35371_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.652	2.1271E-03
236	HG3254-	The Institute for Genomic Research	ミトコンドリア外膜トランスロカセ7ホモログ (酵母) /// 仮想 タンパク質 LOC201725	1163_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.591	5.8759E-03
251	HT343 8776	Entrez Gene		34654_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.631	5.7609E-03
257	AI557912	GenBank		39025_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.727	5.2071E-03
272	22826	Entrez Gene	DnaJ (Hsp40) ホモログ、サブファミリー C、ムンハ-8	35166_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.612	5.7794E-03
275	10497	Entrez Gene	unc-13 ホモログ B (C. elegans)	40087_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.769	3.3634E-03
305	23351	Entrez Gene	KIAA0323	32592_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.679	8.2136E-03
361	4677	Entrez Gene	アスナラキニルRNA合成酵素	41241_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.658	3.0519E-03
371	4832	Entrez Gene	非転移性細胞3、発現タンパク質	197_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.663	6.9663E-03
391	54462	Entrez Gene	KIAA1128	37617_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.696	9.3133E-03
452	539	Entrez Gene	ATP合成酵素、プロトン輸送性、ミトコンドリア複合体、Oサブユニット(オリゴマイシン感受性付与タンパク質)	37029_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.784	7.2352E-03
467	1329	Entrez Gene	シトクロムcオキシゲナーゼサブユニットVb	39921_at	Day 7 Intra / Day 7 Control	0.718	5.7364E-03
556	9528	Entrez Gene	膜貫通タンパク質59	35033_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.779	6.9035E-03
561	670	Entrez Gene	ヒソニル加水分解酵素様(セリン加水分解酵素、 乳脂上皮タンパク質関連抗原)	40912_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Control	0.784	7.7779E-03
568	56270	Entrez Gene	WDR45様	39185_at	Day 3 Intra / Day 3 Control	0.792	6.7923E-03

低下診断表22

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
1	4250	Entrez Gene	セクレトリン、ファミリー2A、メンバー2	36329_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.023	2.7212E-03
3	10647	Entrez Gene	セクレトリン、ファミリーD、メンバー2	33880_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.102	5.4085E-03
4	HG17633	The Institute for Genomic Research	—	325_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.038	6.4653E-03
5	HT178	Entrez Gene	脂肪細胞型脂肪酸結合タンパク質4	38430_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.053	1.3371E-03
7	6288	Entrez Gene	血清アミロイドA1	33272_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.069	6.8147E-03
10	1690	Entrez Gene	凝固因子Cホモログ、コチリン(Limulus polyphemus)	33272_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.117	4.3324E-03
26	5271	Entrez Gene	セルペンペンチダーゼ阻害剤、クレチンB(オキアノグミン)、メンバー8	34190_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.129	1.6089E-03
57	23242	Entrez Gene	コルトン、フルホモログ(マウス)	36312_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.482	4.6083E-03
69	13	Entrez Gene	アミロイドA1脱アセチル酵素(ヒト)	35669_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.522	4.0595E-04
75	26	Entrez Gene	アミロイド結合タンパク質(アミロイド結合有)	36512_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.434	1.5905E-04
80	26154	Entrez Gene	ATP結合ドメイン、サブファミリーA(ABC1)、メンバー12	37186_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.443	5.1668E-03
82	1410	Entrez Gene	グリスリン、αB	31754_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.557	5.7474E-03
84	10733	Entrez Gene	ホドホドキナーゼ4(ショウジョウバエ)	32243_g_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.468	5.9480E-03
133	3422	Entrez Gene	インベンニル2リン酸Δイミダゼ1	975_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.455	5.4588E-03
147	2110	Entrez Gene	電子伝達系タンパク質複合体、メンバー1	36985_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.515	5.4407E-03
159	5110	Entrez Gene	タンパク質-L-グルタミルキナーゼ(D-グルタミルキナーゼ)O-アシル基転移酵素	33494_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.523	1.1889E-03
166	10553	Entrez Gene	セルペンペンチダーゼ阻害剤、ケニグツタイ、2	37737_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.534	2.8151E-03
171	1662	Entrez Gene	DEAD(Asp-Glu-Ala-Asp)ホックスホリペプチド10	34348_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.699	5.3002E-03
176	202	Entrez Gene	absent in melanoma 1	831_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.544	5.2360E-03
177	9774	Entrez Gene	BCI2結合転写因子1	32112_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.617	9.6499E-03
181	4232	Entrez Gene	中胚葉特異的転写産物ホモログ(マウス)	38050_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.547	4.7061E-03
189	10300	Entrez Gene	カタニンp80(WD反復含有)リノエニトB1	37749_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.553	9.8929E-04
190	55651	Entrez Gene	核小体タンパク質ファミリーA、メンバー2(H/ACA核小体低分子RNA)	40976_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.559	9.1899E-03
200	8349	Entrez Gene	ヒトH2be	41322_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.675	9.6475E-03
201	171546	Entrez Gene	第14染色体オープンリーディングフレーム147	33352_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.617	5.0561E-03
214	11066	Entrez Gene	U11/U12 snRNP 35K	33399_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.656	8.8383E-03
				41029_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.589	7.2521E-03

低下診断表22

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
221	5917	Entrez Gene	アルキニルRNA合成酵素	549_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.584	6.5983E-03
249	545	Entrez Gene	毛細血管拡張運動失調症およびRad3関連	37229_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.597	5.6822E-03
251	8776	Entrez Gene	ミトコンドリア関連タンパク質1	34664_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.598	1.6699E-03
255	23234	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ、サブファミリーC、メンバー9	41569_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.615	8.2286E-03
263	6427	Entrez Gene	スライディング因子、アルキニン/セリンリッチ2	36111_s_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.665	1.5173E-04
270	3301	Entrez Gene	DnaJ(Hsp40)ホモログ、サブファミリーA、メンバー1	39118_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.611	5.7425E-03
289	9	Entrez Gene	N-アセチルトランスフェラーゼ1(アミノ酸N-アセチルトランスフェラーゼ)	38187_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.619	5.7524E-03
297	8888	Entrez Gene	MCM3ニ染色体維持欠陥3(S. cerevisiae)関連タンパク質	40469_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.624	4.8160E-03
315	8930	Entrez Gene	メチル化CpG結合ドメインタンパク質4	34386_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.634	3.7388E-03
324	1340	Entrez Gene	シクロ酸素シグナルサグユニットVbホリパフド1(ユビキチン)	40872_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.696	6.3894E-03
337	27067	Entrez Gene	スタウファン、RNA結合タンパク質、ホモログ2(ショウジョウバエ)	36341_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.645	8.2036E-03
342	1054	Entrez Gene	CCAAT/エンバサ結合タンパク質(C/EBP)	38219_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.676	1.0916E-03
352	8732	Entrez Gene	RNAグアニリルトランスフェラーゼおよび5'-メスアッテ	35202_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.654	1.2688E-03
356	51567	Entrez Gene	TRAFおよびTNF受容体結合タンパク質	34825_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.655	3.0500E-05
365	6635	Entrez Gene	核内低分子リボヌクレオタンパク質ホリパフドE	36579_g_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.661	3.7759E-04
369	7004	Entrez Gene	TEAD1(アミノ酸)メンバー4	41037_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.710	7.7243E-03
372	10557	Entrez Gene	リボヌクレオチドP/MRP38kDaサブユニット	41040_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.667	4.5174E-03
377	56339	Entrez Gene	メチルトランスフェラーゼ様3	32244_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.726	7.6780E-03
382	10038	Entrez Gene	ホリ(ADP)リボースホリメラーゼファミリーメンバー2	34756_g_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.669	7.1429E-03
387	7411	Entrez Gene	フロンテッセル、リンドウ結合タンパク質1	171_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.672	7.7370E-03
393	25972	Entrez Gene	unc-50ホモログ(C. elegans)	39442_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.675	9.8635E-03
400	3156	Entrez Gene	3-ヒドロキシ-3-メチルグルタル-CoA還元酵素	39328_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.661	6.1525E-03
405	2961	Entrez Gene	基本転写因子IIE、ホリパフド2, $\beta$ 34kDa	37295_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.796	1.4862E-03
409	4170	Entrez Gene	骨髄性細胞白血病配列1(BCL2関連)	277_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.684	9.6805E-03

低下診断表22

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
418	4676	Entrez Gene	ヌクレオチド集合タンパク質1様4	32575_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.790	4.9890E-03
444	2926	Entrez Gene	グリッチRNA配列結合因子1	32595_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.696	6.0979E-03
450	10329	Entrez Gene	膜貫通タンパク質5	37445_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.700	2.4850E-03
453	10542	Entrez Gene	B型肝炎ウイルス結合タンパク質	38054_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.782	3.3831E-03
456	5431	Entrez Gene	ホリラゼ(RNA)(DNA指向性)ホリラゼB, 140kDa	39746_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.705	2.3347E-03
468	51020	Entrez Gene	HDドメイン含有2	34359_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.777	2.8509E-03
479	10511	Entrez Gene	PDZおよびLIMドメイン5	37366_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.722	2.3752E-03
489	26100	Entrez Gene	WIP149様タンパク質2	33392_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.731	6.9435E-03
509	51304	Entrez Gene	シグマ因子1-DHHC型含有3	39751_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.744	7.7468E-03
513	10541	Entrez Gene	酸性(ロイシンリッチ)核リン酸化タンパク質32772リ-マンバ-B	38479_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.747	1.5161E-03
515	23378	Entrez Gene	KIAA0947タンパク質	41595_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.751	2.7370E-03
548	5636	Entrez Gene	ホスホリボシル化リン酸合成酵素関連タンパク質2	41853_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.772	9.6928E-03
554	10556	Entrez Gene	リボヌクレオチドP/MRP30kDaサブユニット	39702_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.778	6.7433E-03
555	9562	Entrez Gene	マルチアルブミンホリリン酸ヒスチジンホスファターゼ、1	38325_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.779	8.9541E-03
574	79073	Entrez Gene	仮想タンパク質MGC5508	36803_at	Day 3 Intra / Day 3 Extra	0.797	7.6719E-03
589	25956	Entrez Gene	第21染色体オランディンゲル-4.25	32107_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.845	5.8404E-03

## 低下診断表23

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
166	10653	Entrez Gene	セリンヘンリクタンパク質阻害剤、クニツタイ7.2	34348_at	Day 7 Intra / Day 7 Extra	0.699	5.3002E-03

10

20

30

40

低下診断-表24

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
5	3283	Entrez Gene	ヒトキシンΔ5-ステロイド脱水素酵素、3β-およびステロイドタルタインラゼ1	35721_at 32190_at 32190_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri Day 0 Intra / Day 0 Peri Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.062 0.091 0.201	4.4497E-03 5.6381E-04 7.6424E-03
9	247	Entrez Gene	アラキドン酸15-リボキシゲナーゼ、2型	37430_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.096	4.5492E-03
12	HG371- H12638	The Institute for Genomic Research	--	700_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.143	4.4849E-03
15	L09190	GenBank	ホモ・サピエンス(ヒト)のPlacentaCo25均一化の完全長cDNAクローニングJ05	37835_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.206	2.8404E-03
19	10351	Entrez Gene	ATP結合カゼット、サブファミリーA(ABC1)、タンパク質、毛髪、酸性、4	35717_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.305	5.8783E-04
30	3885	Entrez Gene	脂肪酸シナーゼ	34012_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.352	4.5590E-03
44	2194	Entrez Gene	キナーゼ3様2	38429_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.386	9.3714E-03
58	1117	Entrez Gene	GATAシノクアインカドメイン含有1	31891_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.432	5.3219E-04
73	57798	Entrez Gene	ELOVL7ファミリータンパク質、長鎖脂肪酸伸長(FEN1)/Elo2、SUR4/Elo3様、酵母	34195_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.441	6.2766E-04
89	60481	Entrez Gene	シクロDAP450、ファミリーB、ホリヘンブチド1	33821_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.468	8.7794E-03
92	1545	Entrez Gene	ヘテロ核RNA-タンパク質D様	40071_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.471	9.8480E-03
105	9987	Entrez Gene	大腸菌変異	32393_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.489	1.9407E-03
107	4163	Entrez Gene	SRV(性決定領域Y)ホックス9(屈曲肢異形成症、常染色体逆性)	35561_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.489	6.2800E-05
119	6662	Entrez Gene	シンクワインカ-タンパク質44(KOX7)	33436_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.521	8.5777E-03
125	51710	Entrez Gene	FYN結合タンパク質(FYB-120/130)	35409_f_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.507	5.1572E-03
126	2533	Entrez Gene	中心体結合タンパク質350	41819_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.507	3.0115E-03
127	9857	Entrez Gene	シンクワインカ-タンパク質175	33805_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.508	4.3400E-05
134	7728	Entrez Gene	ATG12オキソアジニル-関連12ホモログ(S. cerevisiae)	37500_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.515	4.1955E-03
153	9140	Entrez Gene	アロキシン-セトリン含有5	32720_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.530	2.7861E-04
163	51099	Entrez Gene	オキシステロール結合タンパク質様8	33309_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.536	9.8735E-03
164	114882	Entrez Gene	リン酸シノクアインカドメイン含有1、エリン、α	41438_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.536	3.0621E-03
172	5130	Entrez Gene	ホックスおよびロイシノリシチン+タンパク質4	39285_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.545	2.3355E-03
174	26235	Entrez Gene		39987_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.546	3.2958E-03

低下診断-表24

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
184	U73737	GenBank	—	1017_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.556	4.6650E-03
211	6315	Entrez Gene	BRCA1結合タンパク質	41512_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.677	7.0812E-04
219	65055	Entrez Gene	第2染色体オラングイングフレーム423	36098_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.583	2.9762E-03
225	5927	Entrez Gene	十文字、ATリッチ相互作用ドメイン1A(RB8P2様)	1785_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.585	3.1353E-03
226	2824	Entrez Gene	糖タンパク質M6B	37251_s_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.586	8.6602E-03
247	2355	Entrez Gene	FOS様抗原2	40268_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.596	5.8255E-03
261	6851	Entrez Gene	SONDNA結合タンパク質	39096_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.641	4.2992E-03
273	23090	Entrez Gene	シンクアインガンタンパク質423	34950_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.623	7.6235E-03
288	3418	Entrez Gene	イソクエン酸脱水素酵素2(NADP+), ミトコンドリア型	32332_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.617	1.2980E-03
302	24139	Entrez Gene	棘皮動物微小管結合タンパク質様2	41328_s_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.527	4.4037E-03
311	4681	Entrez Gene	神経芽細胞腫、腫瘍抑制1	37005_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.531	3.2813E-03
329	4026	Entrez Gene	好ましい転座パターンを含有する脂肪腫IMTメイン	41195_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.639	3.3595E-03
369	7004	Entrez Gene	TEADメインアミリジンパ-4	41037_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.755	4.0427E-03
399	50613	Entrez Gene	COP9構成的光形態形成モダリユニット7A(Arabidopsis)	34404_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.661	4.7805E-03
414	23112	Entrez Gene	トリアルオキシド反復含有6B	37487_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.688	3.9849E-03
435	889	Entrez Gene	KRIT1、アンキリン反復含有	34031_l_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.694	4.9207E-03
464	22882	Entrez Gene	シンクアインガンおよびヒメノホウキス2	41503_at	Day 7 Intra / Day 7 Peri	0.750	6.4066E-03
473	3054	Entrez Gene	宿主細胞因子C1(VP167)セリタンパク質	37910_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.718	6.3341E-03
494	10075	Entrez Gene	HECT、UBAおよびUWWETメイン含有1	34374_g_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.733	2.9867E-03
550	9703	Entrez Gene	KIAA0100遺伝子産物	39783_at	Day 0 Intra / Day 0 Peri	0.773	4.2046E-03
557	5326	Entrez Gene	多形腺腫遺伝子様2	40061_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.779	7.6774E-03

低下診断表25

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
329	4026	Entra Gene	好ましい転座パターンを含有する脂肪腫LIM1ライ	41195_at	Day 3 Intra / Day 3 Peri	0.639	3.3595E-03

【 0 3 5 3 】

10

20

30

40

低下診断表26

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
13	125	Entrez Gene	アルコールデヒドロゲナーゼ1B(クラスD), $\beta$ オキシブチ	35730_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.162	9.2302E-03
18	7123	Entrez Gene	C型レクチンドメインファミリー3, メンバ-B	36569_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.243	7.7786E-03
19	10351	Entrez Gene	ATP結合カゼン, サフラミリア(ABC1), メンバ-B	35717_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.279	3.1166E-03
20	AB011538	GenBank	CDNA/D-IMAGE5922621	35324_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.280	3.8006E-03
21	3131	Entrez Gene	肝白血因子	38627_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.289	1.1838E-03
23	4211	Entrez Gene	Meis1, 骨髄性エリトロポエチン誘発因子組み込み部位	38627_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.325	6.7101E-03
24	2053	Entrez Gene	細胞質エポキソ加水分解酵素2	40763_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.324	4.5206E-03
25	4253	Entrez Gene	CTAGEファミリー, メンバ-5	41473_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.327	3.5922E-03
32	11075	Entrez Gene	スタシジン様2	41615_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.330	3.8948E-03
33	3075	Entrez Gene	補体因子H	36800_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.356	5.8882E-03
34	10458	Entrez Gene	BAI1結合タンパク質2	32250_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.356	2.4648E-03
35	9086	Entrez Gene	真核細胞翻訳開始因子1A, Y連鎖	37760_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.799	8.1747E-03
36	2273	Entrez Gene	41/2LIMIT, メンバ	40097_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.358	8.6154E-03
40	4223	Entrez Gene	間葉細胞ホモックス2 (成長停止特異的ホモホックス)	32542_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.367	5.7500E-03
41	3400	Entrez Gene	DNA結合阻害因子4, トリニトカチンヘリックス ループヘリックスタンパク質	40398_s_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.376	7.2046E-03
48	9452	Entrez Gene	内在性膜タンパク質2A	41536_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.381	8.0900E-05
51	5354	Entrez Gene	プロオピドタンパク質1 (ヘリックス-ループヘリックス病、 癌性対麻痺2型、単純性)	41536_at 40775_at 40775_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra Day 3 Intra/ Day 0 Intra Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.410 0.392 0.400	2.1354E-03 3.3491E-03 2.0273E-03
54	224	Entrez Gene	アルデヒド脱水素酵素3ファミリー, メンバ-A2	41158_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.403	1.1357E-04
57	23242	Entrez Gene	コルテン-グルネモグ(マウス)	41158_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.503	1.7500E-03
61	M11119	GenBank	GREB1タンパク質	40409_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.456	8.5051E-04
62	9687	Entrez Gene	サカレシ脱水素酵素(推定)	35669_at 36850_at 38875_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra Day 3 Intra/ Day 0 Intra Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.414 0.428 0.428	5.3389E-03 8.8745E-03 1.0961E-04
63	51097	Entrez Gene	サカレシ脱水素酵素(推定)	34862_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.680	6.5823E-03

低下診断表26

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
67	9145	Entrez Gene	シフトキリン1	35354_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.432	1.9735E-03
76	AL080082	GenBank	MRNA: cDNA DKFZ564G1162(クロ- ンDKFZ564G1162由来)	35354_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.469	5.7597E-03
85	8848	Entrez Gene	TSC22D1(インテグリン-α7)	35581_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.444	9.2254E-03
87	5264	Entrez Gene	フィタリルCoAヒドロキシラーゼ(ノバラム病)	39032_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.455	1.8273E-03
91	10248	Entrez Gene	前駆体プロセッシング7, リボヌクレオチドポリメラーゼ(cerevisiae)	32724_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.465	4.1244E-03
96	10090	Entrez Gene	ウロニル2-スルホトランスフェラーゼ	32213_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.470	9.0083E-03
98	352961	Entrez Gene	MHCクラスIImRNAアライメント3.8-1	41859_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.474	1.8927E-03
100	10528	Entrez Gene	チロキシン結合タンパク質	41859_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.521	1.4198E-04
102	6038	Entrez Gene	リボヌクレオチド RNA7-ゼン7ファミリー4	34934_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.479	6.5297E-03
104	6414	Entrez Gene	セリンプロテインP、血漿、1	31508_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.482	9.0159E-03
111	2947	Entrez Gene	グルタチオンSトランスフェラーゼ M3(脳)	32664_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.483	2.7472E-03
114	8864	Entrez Gene	ヒトオキモログ(コウシンゴカイ)	32664_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.589	4.9291E-04
117	104	Entrez Gene	7-テノシチアミナーゼ、RNA特異的、 B1(RED1ラット細胞株)	34363_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.488	6.0330E-03
122	9831	Entrez Gene	シグナルタンパク質623	1120_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.494	7.1503E-03
124	22982	Entrez Gene	KIAA0934	35008_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.497	4.3990E-03
128	9891	Entrez Gene	NUAK7ファミリー SNF1様キナーゼ、1	38748_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.499	8.5077E-04
131	23051	Entrez Gene	シグナルタンパク質およびホモオックス3	38748_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.541	1.9004E-03
140	10284	Entrez Gene	Sin3結合ホリハフチ、18kDa	39954_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.505	3.3609E-03
143	7073	Entrez Gene	TIA1細胞傷害性顆粒結合RNA結合タンパク質様1	33408_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.506	3.1621E-03
145	8853	Entrez Gene	増殖・分化促進因子2	33767_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.508	1.4529E-03
146	4968	Entrez Gene	8-オキシアニンドナグリコラーゼ	40461_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.513	6.7008E-04
151	55187	Entrez Gene	液胞タンパク質ソテイング13D(酵母)	40461_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.609	6.3269E-03
155	23506	Entrez Gene	KIAA0240	41277_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.520	2.4318E-03
			増殖・分化促進因子2	41761_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.521	4.5836E-03
			8-オキシアニンドナグリコラーゼ	39410_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.521	2.9990E-03
			液胞タンパク質ソテイング13D(酵母)	38335_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.522	7.5869E-04
			KIAA0240	38335_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.626	6.6349E-03
				32743_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.527	2.5585E-03
				38692_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.531	5.3954E-03

10

20

30

40

低下診断表26

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
158	6595	Entrez Gene	SWI/SNF関連、マトリックス結合、アクリン依存性 クロマチン調節因子、サブアミリア、マンハッ	40961_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.533	6.2437E-03
161	201229	Entrez Gene	仮想タンパク質LOC201229	39557_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.535	2.3943E-03
162	22908	Entrez Gene	KIAA1018タンパク質	36458_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.536	6.1234E-03
168	399563	Entrez Gene	仮想タンパク質FLJ43806	37161_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.542	7.7014E-03
182	2145	Entrez Gene	zesteのエンハンサホモログ1(シヨウジョウハ)	32259_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.554	8.0450E-03
196	57209	Entrez Gene	シンクアインガ'タンパク質248	35139_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.565	2.1978E-03
211	8315	Entrez Gene	BRCA1結合タンパク質	41512_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.577	1.1128E-03
212	8623	Entrez Gene	アセチルセロニン-O-メチルトランスフェラーゼ様	36553_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.578	7.1773E-04
213	169511	Entrez Gene	オルファクトリン様2A	38312_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.579	3.6248E-03
218	128	Entrez Gene	アルコルデヒドゲナゼ5(クラスIII)、Xホリハフ'ネ'	37708_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.582	8.9780E-03
223	2621	Entrez Gene	増殖停止特異的6	1597_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.585	6.6289E-03
224	831	Entrez Gene	カルバスタチン	41237_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.585	5.3048E-04
227	1153	Entrez Gene	低温誘導性RNA結合タンパク質	39864_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.587	2.1269E-03
230	AB006780	GenBank	レクチン、ガラクトシド結合性、可溶性、 3(カルレチニン3)////カルレチニン3内在遺伝子	35367_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.611	6.9554E-03
231	6929	Entrez Gene	転写因子3(E2A免疫グロブリンエンハンサ 結合因子E12/E47)	1373_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.590	2.7482E-03
242	23353	Entrez Gene	unc-84ホモログA(C. elegans)	36588_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.594	2.9354E-03
244	6670	Entrez Gene	Sp3転写因子	41573_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.594	6.5653E-03
253	AL080234	GenBank	ホモセイン(ヒト)の胎児肝臓の完全長 cDNAクローニングCSDDM001YA04	38070_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.598	4.0826E-03
256	94239	Entrez Gene	ヒストンH2A7ファミリー、マンハッ	39046_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.600	7.9321E-03
257	A1557912	GenBank	ミユコトリア外膜トランスカセホモログ(酵母)/// 仮想タンパク質LOC201725	39046_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.650	5.0612E-03
261	6651	Entrez Gene	SONDNA結合タンパク質	39025_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.601	3.8343E-03
				39096_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.607	3.4000E-03
				39096_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.710	4.2188E-03

10

20

30

40

低下診断表26

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
263	5427	Entrez Gene	スプライン因子、アルミニウム/セリンリッチ2	38111_s_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.709	6.0916E-03
264	221749	Entrez Gene	第6染色体オブリゲティングフレム145	34246_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.608	3.6829E-03
267	54665	Entrez Gene	円形精子細胞塩基性タンパク質1	37828_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.610	7.9572E-04
274	64112	Entrez Gene	アポトシスモジュレーター	34767_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.614	4.4658E-03
282	23392	Entrez Gene	KIAA0368	34414_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.616	1.2883E-03
283	5934	Entrez Gene	網膜芽細胞腫様2(p130)	32597_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.616	8.7510E-03
284	4781	Entrez Gene	核因子1/B	41229_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.616	3.0477E-03
290	25797	Entrez Gene	グルタミルヘパトサイトトランスフェラーゼ (グルタミルシクラーゼ)	35966_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.619	4.9522E-03
298	10289	Entrez Gene	翻訳開始因子sui1ホモログ	33351_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.673	1.7268E-03
310	22903	Entrez Gene	BTB(P0Z)ドメイン含有3	37755_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.631	9.7703E-03
312	10301	Entrez Gene	リンパ性白血病欠失1	33791_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.631	8.9665E-03
313	AF052138	GenBank	FLJ35348///プロトドメイン含有3	33791_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.726	6.7457E-03
319	1428	Entrez Gene	クリスタリ、μ	41841_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.632	4.2490E-03
320	10514	Entrez Gene	ヘキサチレンビスアセチル誘導1	38285_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.636	1.2448E-03
334	6230	Entrez Gene	リボソームタンパク質S25	40220_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.636	3.7740E-03
341	9521	Entrez Gene	真核翻訳伸張因子1ε1	31573_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.643	9.4033E-03
360	3298	Entrez Gene	熱ショック転写因子2	40587_s_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.647	1.9926E-03
363	23354	Entrez Gene	KIAA03768タンパク質	202_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.658	7.1609E-03
365	6635	Entrez Gene	核内低分子リボヌクレオタンパク質ホリヘパトE	34837_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.659	2.3071E-03
373	26156	Entrez Gene	リボソームドメイン含有1	36679_g_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.697	1.8800E-05
376	26053	Entrez Gene	自閉症感受性候補2	39418_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.691	5.6268E-03
377	56339	Entrez Gene	マイトコンドリア様3	35648_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.667	3.9622E-03
386	10304	Entrez Gene	膀胱癌関連タンパク質	32244_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.667	8.9345E-04
390	1349	Entrez Gene	シクロ酸素キナーゼサブユニットVib	35267_g_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.672	2.1451E-03
391	54462	Entrez Gene	KIAA1128	36687_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.673	1.8885E-03
392	80003	Entrez Gene	pecanex様2(コウジヨウハエ)	37617_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.674	5.5416E-03
394	64795	Entrez Gene	仮想タンパク質FLJ13910	39650_s_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.674	6.1108E-03
397	7743	Entrez Gene	シクロフィリンタンパク質189	36550_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.676	3.2810E-03
417	9759	Entrez Gene	ヒストンアセチラーゼ4	36072_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.678	3.7246E-03
422	1749	Entrez Gene	テイスタルスホホタンパク質5	38271_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.699	4.9633E-03
				41087_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.699	3.6526E-03

【 0 3 5 7 】

10

20

30

40

低下診断表26

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
427	22794	Entrez Gene	癌感受性候補3	38437_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.692	2.7057E-03
				38437_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.742	4.1247E-03
428	322	Entrez Gene	$\beta$ アミロイド(A4)前駆体タンパク質結合、アミロイドタンパク質(F65)	1101_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.692	1.6584E-03
430	6637	Entrez Gene	核内低分子リボヌクレオタンパク質ホリヘンチG	37337_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.693	3.9680E-03
439	2549	Entrez Gene	GRB2関連結合タンパク質1	33997_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.695	2.4091E-04
				33997_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.710	2.0825E-03
443	23125	Entrez Gene	カルモジュリン結合転写活性化因子2	41421_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.698	8.5760E-03
447	22849	Entrez Gene	細胞質ホリヘンチニル化因子結合タンパク質3	34931_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.697	6.8691E-03
448	10106	Entrez Gene	CTD(カルボキシル末端ドメイン、RNAポリメラーゼII、ホリヘンチA)ヌクレオチドホリヘンチ2	41202_s_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.698	3.5449E-03
451	26959	Entrez Gene	HMGボックス転写因子1	39609_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.701	9.4668E-03
454	8624	Entrez Gene	タンパク質重要領域遺伝子2	36088_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.704	8.0554E-03
458	51020	Entrez Gene	HDTドメイン含有2	34359_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.712	2.4876E-03
474	79026	Entrez Gene	AHNK核タンパク質(デスモモキ)	37027_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.718	8.1471E-03
482	9813	Entrez Gene	KIAA0494	41830_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.725	3.4757E-03
500	23259	Entrez Gene	DDHDドメイン含有2	35177_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.736	6.5771E-03
519	9215	Entrez Gene	クリノリトラスファゼ様	41346_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.754	4.1376E-03
521	10241	Entrez Gene	核ドメイン10タンパク質	40063_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.755	7.6513E-03
526	1955	Entrez Gene	EGF様ドメイン、カルチキリン	36488_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.769	7.4685E-03
530	4601	Entrez Gene	MAXインタクト-1	39072_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.762	4.0454E-03
532	1998	Entrez Gene	E74様因子2(etsドメイン転写因子)	507_s_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.763	4.9954E-03
537	7693	Entrez Gene	ジンクフィンカタンパク質134(クロシpHZ-15)	38295_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.764	9.8397E-03
545	23284	Entrez Gene	アキリド複製およびスライムαモータードメイン含有1	40971_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.769	7.4093E-03
551	10284	Entrez Gene	DnaJ (Hsp40)ホモログ、サブアミロイドタンパク質2	34201_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.775	2.1191E-03
552	9741	Entrez Gene	リソソームタンパク質膜貫通4α	39019_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.776	6.0768E-03
				39019_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.815	9.6992E-03

【 0 3 5 8 】

10

20

30

40

低下診断-表26

遺伝子番号	公開識別子	データソース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
556	9528	Entrez Gene	膜貫通タンパク質59 + 文字トメイン含有1B	39033_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.767	2.6172E-04
564	51780	Entrez Gene		33670_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.789	6.0617E-03
587	369	Entrez Gene	vtravrus肉腫3611ウイルス癌遺伝子ホモログ	1706_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.832	4.3502E-04
588	23	Entrez Gene	ATP結合カセット、サブファミリー(GCN20)、タンパク	39141_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.837	5.3611E-03
590	23644	Entrez Gene	自己抗原	36670_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.866	7.3351E-03

10

20

30

40

低下診断表27

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロブID	比較	倍率変化	P値
24	2053	Entrez Gene	細胞質Iホキント加水分解酵素2	41473_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.327	3.5922E-03
417	9759	Entrez Gene	ヒストンデアセチラーゼ4	38271_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.689	4.9833E-03
588	23	Entrez Gene	ATP結合カゼット、サブリニール(GON20)タンパク	39141_at	Day 7 Intra/ Day 3 Intra	0.837	5.3611E-03

10

20

30

40

【 0 3 6 0 】

低下診断表28

遺伝子番号	公開識別子	データベース	遺伝子名	プロトID	比較	倍率変化	P値
102	6038	Entrez Gene	リボヌクレオゼ、RN7-セA77ミリ-4	32664_at	Day 3 Intra/ Day 0 Intra	0.483	2.7472E-03
				32664_at	Day 7 Intra/ Day 0 Intra	0.569	4.9291E-04

10

20

30

40

## 【国際調査報告】

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No  
PCT/GB2007/003221

A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER INV. C12Q1/68		
According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC		
B. FIELDS SEARCHED		
Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols) C12Q		
Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched		
Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practical, search terms used) EPO-Internal, BIOSIS, EMBASE, WPI Data, CHEM ABS Data, EMBL		
C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		
Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
A	SATISH LATHA ET AL: "Gene expression patterns in isolated keloid fibroblasts." WOUND REPAIR AND REGENERATION : OFFICIAL PUBLICATION OF THE WOUND HEALING SOCIETY [AND] THE EUROPEAN TISSUE REPAIR SOCIETY 2006 JUL-AUG, vol. 14, no. 4, July 2006 (2006-07), pages 463-470, XP002457455 ISSN: 1067-1927	1-20
X	abstract page 464, column 1, paragraphs MATERIALS, AND, METHODS page 467; table 1 ----- -/-	21-41
<input checked="" type="checkbox"/> Further documents are listed in the continuation of Box C. <input checked="" type="checkbox"/> See patent family annex.		
* Special categories of cited documents : "A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance "E" earlier document but published on or after the international filing date "L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified) "O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means "P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed "T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention "X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone "Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art "&" document member of the same patent family		
Date of the actual completion of the international search  28 November 2007		Date of mailing of the international search report  07/03/2008
Name and mailing address of the ISA/ European Patent Office, P.B. 5818 Patentlaan 2 NL - 2280 HV Rijswijk Tel: (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl, Fax: (+31-70) 340-3016		Authorized officer  Celler, Jakub

Form PCT/ISA/210 (second sheet) (April 2005)

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No  
PCT/GB2007/003221

C(Continuation), DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		
Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
A	HU ZHEN-FU ET AL: "[Differential gene expression profile of keloids: a study with cDNA microarray]" NAN FANG YI KE DA XUE XUE BAO = JOURNAL OF SOUTHERN MEDICAL UNIVERSITY MAR 2006, vol. 26, no. 3, March 2006 (2006-03), pages 308-312, XP002457456 ISSN: 1673-4254	1-20
X	abstract page 309; table 1	21-41
A	WO 03/097615 A (SCIOS INC [US]; CHAKRAVARTY SARVAJIT [US]; DUGAR SUNDEEP [US]; HIGGINS) 27 November 2003 (2003-11-27)	1-20
X	abstract page 63; claims 36,37,39 page 3, line 32	21-41
A	PUNYADEERA C ET AL: "Oestrogen-modulated gene expression in the human endometrium." CELLULAR AND MOLECULAR LIFE SCIENCES : CMLS JAN 2005, vol. 62, no. 2, January 2005 (2005-01), pages 239-250, XP002457457 ISSN: 1420-682X	1-20
X	abstract	21-41
A	WO 98/21331 A (INCYTE PHARMA INC [US]; AKERBLUM INGRID E [US]; HILLMAN JENNIFER L [US]) 22 May 1998 (1998-05-22)	1-20
X	abstract page 26, paragraphs DIAGNOSTIC,USE figure 2A	21-41
A	LUO YONG ET AL: "[Analysis of differential express gene between keloid and normal skin by suppression subtractive hybridization]" ZHONGGUO XIUFU CHONGJIAN WAI KE ZA ZHI = ZHONGGUO XIUFU CHONGJIAN WAIKE ZAZHI = CHINESE JOURNAL OF REPARATIVE AND RECONSTRUCTIVE SURGERY MAY 2006, vol. 20, no. 5, May 2006 (2006-05), pages 495-498, XP001537632 ISSN: 1002-1892	1-20
X	abstract	21-41
A	CN 1 552 875 A (NO 3 HOSPITAL BEIJING UNIV [CN]) 8 December 2004 (2004-12-08)	1-20
X	abstract	21-41

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.  
PCT/GB2007/003221

**Box No. II Observations where certain claims were found unsearchable (Continuation of item 2 of first sheet)**

This International search report has not been established in respect of certain claims under Article 17(2)(a) for the following reasons:

1. ☐ Claims Nos.:  
because they relate to subject matter not required to be searched by this Authority, namely:
  
2. ☐ Claims Nos.:  
because they relate to parts of the international application that do not comply with the prescribed requirements to such an extent that no meaningful international search can be carried out, specifically:
  
3. ☐ Claims Nos.:  
because they are dependent claims and are not drafted in accordance with the second and third sentences of Rule 6.4(a).

**Box No. III Observations where unity of invention is lacking (Continuation of item 3 of first sheet)**

This International Searching Authority found multiple inventions in this international application, as follows:

see additional sheet

1. ☐ As all required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers allsearchable claims.
  
2. ☐ As all searchable claims could be searched without effort justifying an additional fees, this Authority did not invite payment of additional fees.
  
3. ☐ As only some of the required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers only those claims for which fees were paid, specifically claims Nos.:
  
4. ☒ No required additional search fees were timely paid by the applicant. Consequently, this international search report is restricted to the invention first mentioned in the claims; it is covered by claims Nos.:

1-41 (partly)

**Remark on Protest**

- ☐ The additional search fees were accompanied by the applicant's protest and, where applicable, the payment of a protest fee.
- ☐ The additional search fees were accompanied by the applicant's protest but the applicable protest fee was not paid within the time limit specified in the invitation.
- ☐ No protest accompanied the payment of additional search fees.

International Application No. PCT/GB2007/003221

**FURTHER INFORMATION CONTINUED FROM PCT/ISA/ 210**

This International Searching Authority found multiple (groups of) inventions in this international application, as follows:

**Invention 1 (claims 1-41(partly))**

The methods, kits and arrays of the present aclaims as characterised by Gene ID 1 of the present Table 1.

---

**Inventions 2-590 (claims 1-41(partly)).**

The methods, kits and arrays of the present aclaims as characterised by Gene ID 2-590 of the present Table 1, respectively.

---

**INTERNATIONAL SEARCH REPORT**

Information on patent family members

International application No

PCT/GB2007/003221

Patent document cited in search report		Publication date	Patent family member(s)	Publication date
WO 03097615	A	27-11-2003	AU 2003229305 A1 EP 1511738 A1 US 2004038856 A1	02-12-2003 09-03-2005 26-02-2004
WO 9821331	A	22-05-1998	AU 7180198 A CA 2270156 A1 EP 0941328 A1 JP 2001527524 T US 2002107385 A1	03-06-1998 22-05-1998 15-09-1999 25-12-2001 08-08-2002
CN 1552875	A	08-12-2004	NONE	

## フロントページの続き

(51)Int.Cl. F I テーマコード(参考)  
 C 1 2 N 15/00 A  
 C 1 2 N 15/00 F

(81)指定国 AP(BW, GH, GM, KE, LS, MW, MZ, NA, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), EA(AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), EP(AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, HU, IE, IS, IT, LT, LU, LV, MC, MT, NL, PL, PT, RO, SE, SI, SK, TR), OA(BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG), AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BH, BR, BW, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK, DM, DO, DZ, EC, EE, EG, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, GT, HN, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KM, KN, KP, KR, KZ, LA, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LY, MA, MD, ME, MG, MK, MN, MW, MX, MY, MZ, NA, NG, NI, NO, NZ, OM, PG, PH, PL, PT, RO, RS, RU, SC, SD, SE, SG, SK, SL, SM, SV, SY, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VC, VN, ZA, ZM, ZW

(74)代理人 100119013

弁理士 山崎 一夫

(74)代理人 100137626

弁理士 田代 玄

(72)発明者 ファーガソン マーク ウィリアム ジェイムズ

イギリス エム 1 3 9 エックス エックス マンチェスター グラフトン ストリート 4 8 イ  
 ンキュベーター ビルディング リノーヴォ リミテッド内

(72)発明者 ラヴァティ ヒュー ジェラルド

イギリス エム 1 3 9 エックス エックス マンチェスター グラフトン ストリート 4 8 イ  
 ンキュベーター ビルディング リノーヴォ リミテッド内

(72)発明者 オクルストン ニコラス

イギリス エム 1 3 9 エックス エックス マンチェスター グラフトン ストリート 4 8 イ  
 ンキュベーター ビルディング リノーヴォ リミテッド内

(72)発明者 オケイン シャロン

イギリス エム 1 3 9 エックス エックス マンチェスター グラフトン ストリート 4 8 イ  
 ンキュベーター ビルディング リノーヴォ リミテッド内

(72)発明者 ホッジソン ダレン

イギリス エム 1 3 9 エックス エックス マンチェスター グラフトン ストリート 4 8 イ  
 ンキュベーター ビルディング リノーヴォ リミテッド内

(72)発明者 フレンチ ニール

イギリス エム 1 3 9 エックス エックス マンチェスター グラフトン ストリート 4 8 イ  
 ンキュベーター ビルディング リノーヴォ リミテッド内

(72)発明者 クライドランド クレア

イギリス エム 1 3 9 エックス エックス マンチェスター グラフトン ストリート 4 8 イ  
 ンキュベーター ビルディング リノーヴォ リミテッド内

(72)発明者 ロビー フィリップ

イギリス エム 1 3 9 エックス エックス マンチェスター グラフトン ストリート 4 8 イ  
 ンキュベーター ビルディング リノーヴォ リミテッド内

(72)発明者 バヤット アルデシア

イギリス エム 1 3 9 エックス エックス マンチェスター グラフトン ストリート 4 8 イ  
 ンキュベーター ビルディング リノーヴォ リミテッド内

F ターム(参考) 4B024 AA01 AA11 AA20 CA01 CA09 CA11 CA20 HA11 HA13 HA14

HA20

4B063 QA01 QA19 QQ02 QQ08 QQ42 QQ52 QQ79 QR08 QR42 QR48

QR55 QR56 QR62 QR84 QS16 QS25 QS33 QS34 QS36 QX01

QX02