



## (12) 发明专利

(10) 授权公告号 CN 108271355 B

(45) 授权公告日 2020.10.30

(21) 申请号 201680041407.6

A61K 39/02 (2006.01)

(22) 申请日 2016.06.15

A61K 9/19 (2006.01)

(65) 同一申请的已公布的文献号

A61P 1/00 (2006.01)

申请公布号 CN 108271355 A

A61P 25/00 (2006.01)

(43) 申请公布日 2018.07.10

A23C 9/12 (2006.01)

A23L 33/135 (2016.01)

(续)

(30) 优先权数据

(56) 对比文件

1510470.6 2015.06.15 GB

CN 102947441 A, 2013.02.27

1520510.7 2015.11.20 GB

CN 104546933 A, 2015.04.29

1603786.3 2016.03.04 GB

Maki Kitahara等人.Bacteroides

(85) PCT国际申请进入国家阶段日

plebeius sp. nov. and Bacteroides

2018.01.12

Bacteroides plebeius sp. nov. and

(86) PCT国际申请的申请数据

Bacteroides coprocola sp. nov., isolated from human faeces..《International Journal of Systematic and Evolutionary Microbiology》.2005,

PCT/GB2016/051768 2016.06.15

(87) PCT国际申请的公布数据

Maki Kitahara等人.Bacteroides

W02016/203217 EN 2016.12.22

plebeius sp. nov. and Bacteroides

(83) 生物保藏信息

Bacteroides plebeius sp. nov. and

NCIMB 42341 2014.12.03

(续)

Bacteroides coprocola sp. nov., isolated from human faeces..《International Journal of Systematic and Evolutionary Microbiology》.2005,

(73) 专利权人 4D制药研究有限公司

Maki Kitahara等人.NCBI登录号: NR\_

地址 英国阿伯丁郡

041278.1.《GenBank数据库》.2015,

(72) 发明人 乔治·格兰特

审查员 于婷

安吉拉·玛格丽特·帕特森 (续)

(74) 专利代理机构 北京英赛嘉华知识产权代理

有限责任公司 11204

代理人 王达佐 洪欣

(51) Int.Cl.

权利要求书1页 说明书43页

A61K 35/74 (2015.01)

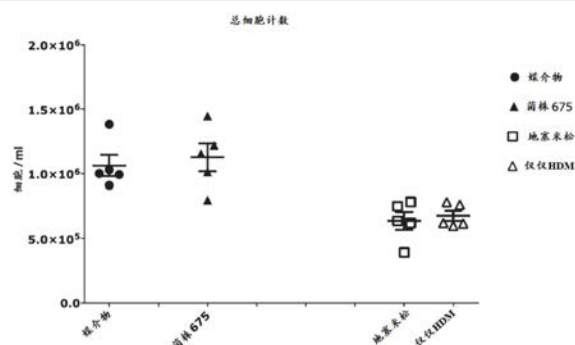
序列表(电子公布) 附图70页

(54) 发明名称

包含细菌菌株的组合物

(57) 摘要

本发明提供了包含细菌菌株的组合物,其用于治疗 and 预防炎症性和自身免疫性疾病。



[转续页]

[接上页]

(83) 生物保藏信息

NCIMB 42408 2015.05.13

(72) 发明人 伊姆克·马尔德

希尼恩·麦克卢斯基

艾玛·拉夫缇斯

(51) Int.Cl.

A61P 35/00 (2006.01)

A61P 37/06 (2006.01)

A61P 37/08 (2006.01)

A61P 7/00 (2006.01)

A61P 9/00 (2006.01)

A61P 11/06 (2006.01)

A61P 11/02 (2006.01)

A61P 17/06 (2006.01)

A61P 19/00 (2006.01)

A61P 19/02 (2006.01)

A61P 25/28 (2006.01)

A61P 27/02 (2006.01)

A61P 1/02 (2006.01)

A61P 1/04 (2006.01)

A61P 29/00 (2006.01)

A61P 35/04 (2006.01)

A61P 43/00 (2006.01)

A61P 11/00 (2006.01)

A61P 17/00 (2006.01)

A61P 17/02 (2006.01)

A61P 37/00 (2006.01)

A61P 9/10 (2006.01)

C12N 1/20 (2006.01)

C12R 1/01 (2006.01)

1. 包含具有与SEQ ID NO: 4至少99%同一的16s rRNA序列的拟杆菌属的细菌菌株的组合物在制备用于治疗或预防选自以下的疾病或病状的药物中的用途:哮喘;关节炎;多发性硬化;牛皮癣;慢性阻塞性肺病(COPD);异位性皮炎以及过敏性鼻炎;

其中所述细菌菌株具有减少IL-17或Th17炎性反应的作用。

2. 如权利要求1所述的用途,其中所述哮喘是过敏性哮喘或中性粒细胞性哮喘,其中所述关节炎是类风湿性关节炎、骨关节炎、牛皮癣性关节炎或幼年特发性关节炎。

3. 如权利要求1或2所述的用途,其中所述细菌菌株具有与SEQ ID NO:4至少99.5%或99.9%同一的16s rRNA序列,或者其中所述细菌菌株具有由SEQ ID NO:4表示的16s rRNA序列。

4. 如权利要求1或2所述的用途,其中所述药物被配制用于经口施用。

5. 如权利要求1或2所述的用途,其中所述药物包含一种或多种药学上可接受的赋形剂或载剂。

6. 如权利要求1或2所述的用途,其中所述细菌菌株是冻干的。

7. 如权利要求1或2所述的用途,其中所述药物是疫苗组合物。

8. 如权利要求1或2所述的用途,其中所述组合物包括以登记号NCIMB 42408保藏的菌株或其子代菌株或亚克隆菌株的细胞。

9. 一种以登记号NCIMB 42408保藏的菌株或其子代菌株或亚克隆菌株的细胞。

10. 一种组合物,其包含如权利要求9所述的细胞。

11. 如权利要求10所述的组合物,其包含医药学上可接受的载剂或赋形剂。

12. 一种以登记号NCIMB 42408保藏的菌株或其子代菌株或亚克隆菌株的生物纯培养物。

## 包含细菌菌株的组合物

### 发明领域

[0001] 本发明属于包含从哺乳动物消化道分离的细菌菌株的组合物和此类组合物用于治疗疾病的用途的领域。

### [0002] 发明背景

[0003] 虽然认为人类肠道在子宫内是无菌的,但在出生后其立刻暴露于大量的母体和环境微生物。此后,出现微生物定殖和演替的动态期,其受例如分娩模式、环境、饮食和宿主基因型等因素影响,所有因素都影响肠微生物丛的组成,特别是在童年期间。随后,微生物丛稳定化并变成成人样[1]。人类肠微生物丛含有超过500-1000个基本上属于两大细菌分类脆弱拟杆菌(Bacteroidete)和厚壁门菌(Firmicute)的不同种系型[2]。由人类肠的细菌定殖产生的成功共生关系产生多种代谢、结构、保护和其它有益功能。定殖肠部的增强代谢活性确保降解以其它方式无法摄取的饮食组分,同时释放副产物,为宿主提供重要的营养物质来源。类似地,充分认识到肠微生物丛的免疫重要性,且在免疫系统减弱的无菌动物中例示,其免疫系统在引入共生细菌后在功能上复原[3-5]。

[0004] 微生物丛组成的显著变化已经在例如炎症肠病(IBD)等肠胃病症中证明。举例来说,在IBD患者中梭菌属(Clostridium)XIVa簇细菌的水平降低,而大肠杆菌数目增加,表明肠内共生体与病原性共生体的平衡的变化[6-9]。有趣地,此微生物生态失调也与效应T细胞群体的不平衡相关。

[0005] 认识到某些细菌菌株对动物肠可能具有潜在的积极作用,已经提议各种菌株用于治疗各种疾病(参见例如[10-13])。也已经提议某些菌株,包括大部分乳杆菌属(Lactobacillus)和双歧杆菌属(Bifidobacterium)菌株,用于治疗不直接与肠相关的各种炎性和自身免疫性疾病(综述参见[14]和[15])。然而,不同疾病和不同细菌菌株之间的关系和特定细菌菌株对肠和在全身水平下和对任何特定类型疾病的准确作用尚未很好地表征。

[0006] 本领域中需要治疗炎性和自身免疫性疾病的新方法。还需要待表征的肠细菌的潜在作用,以可以研发使用肠细菌的新疗法。

### 发明概要

[0007] 本发明人已经研发用于治疗 and 预防炎性和自身免疫性疾病的新疗法。具体来说,本发明人已经研发用于治疗 and 预防由IL-17或Th17通路介导的疾病和病状的新疗法。具体来说,本发明人已经确定来自拟杆菌属(Bacteroides)的细菌菌株可以有效减少Th17炎性反应。如实施例中所描述,经口施用包含人粪拟杆菌(Bacteroides coprocola)的组合物可以降低哮喘、类风湿性关节炎和多发性硬化的小鼠模型中包括Th17炎性反应在内的炎性反应的严重程度。

[0008] 因此,在第一实施方案中,本发明提供了一种包含拟杆菌属的细菌菌株的组合物,其用于治疗或预防由IL-17或Th17通路介导的疾病或病状的方法中。本发明人已经确定用来自此种属的细菌菌株治疗可以降低包括IL-17在内的作为Th17通路的一部分的细胞因子

的水平,可以减轻Th17炎性反应且在由IL-17和Th17通路介导的炎性和自身免疫性疾病的小鼠模型中可以提供临床益处。

[0009] 在特定实施方案中,本发明提供了一种包含拟杆菌属的细菌菌株的组合物,其用于治疗或预防选自以下组成的群组的疾病或病状的方法中:多发性硬化;关节炎,例如类风湿性关节炎、骨关节炎、牛皮癣性关节炎或幼年特发性关节炎;视神经脊髓炎(德维克氏病(Devic's disease));强直性脊柱炎;脊柱关节炎;牛皮癣;系统性红斑狼疮;炎性肠病,例如克罗恩氏病(Crohn's disease)或溃疡性结肠炎;乳糜泻;哮喘,例如过敏性哮喘或中性粒细胞性哮喘;慢性阻塞性肺病(COPD);癌症,例如乳腺癌、结肠癌、肺癌或卵巢癌;葡萄膜炎;巩膜炎;血管炎;白塞氏病(Behcet's disease);动脉粥样硬化;异位性皮炎;肺气肿;牙周炎;过敏性鼻炎;以及同种异体移植排斥。来自拟杆菌属的细菌菌株展示的对Th17炎性反应的作用可以由IL-17和Th17通路介导的疾病和病状,例如上列疾病和病状提供治疗益处。

[0010] 在优选实施方案中,本发明提供了一种包含拟杆菌属的细菌菌株的组合物,其用于治疗或预防例如中性粒细胞性哮喘或过敏性哮喘的哮喘的方法中。本发明人已经确定用拟杆菌属菌株治疗可以减少中性粒细胞和嗜酸性粒细胞募集到肺中,此可以帮助治疗或预防哮喘。此外,本发明人已经测试和证明拟杆菌属菌株在哮喘的小鼠模型中的功效。在某些实施方案中,组合物用于治疗或预防中性粒细胞性哮喘或嗜酸性粒细胞性哮喘的方法中。本发明的组合物展示的对中性粒细胞和嗜酸性粒细胞的作用意味着其可以特别有效地治疗或预防中性粒细胞性哮喘和嗜酸性粒细胞性哮喘。实际上,在某些实施方案中,组合物用于在哮喘治疗或预防中降低中性粒细胞性炎性反应的方法中,或组合物用于在哮喘治疗或预防中降低嗜酸性粒细胞性炎性反应的方法中。在优选实施方案中,本发明提供了一种包含人粪拟杆菌物种的细菌菌株的组合物,其用于治疗哮喘,且尤其中性粒细胞性哮喘。人粪拟杆菌在哮喘模型中展示对中性粒细胞具有特别深远的作用,且用人粪拟杆菌治疗可以特别有效地治疗中性粒细胞性哮喘。在某些实施方案中,本发明提供了一种包含多形拟杆菌物种的细菌菌株的组合物,其用于治疗哮喘,且尤其嗜酸性粒细胞性或过敏性哮喘。在某些实施方案中,本发明提供了一种包含脆弱拟杆菌物种的细菌菌株的组合物,其用于治疗哮喘,且尤其嗜酸性粒细胞性或过敏性哮喘。

[0011] 在其它优选实施方案中,本发明提供了一种包含拟杆菌属的细菌菌株的组合物,其用于治疗或预防类风湿性关节炎的方法中。本发明人已经确定用拟杆菌属菌株治疗可以在类风湿性关节炎的小鼠模型中提供临床益处且可以减少关节肿胀。在优选实施方案中,本发明提供了一种包含人粪拟杆菌物种的细菌菌株的组合物,其用于治疗类风湿性关节炎。使用人粪拟杆菌的组合物可以特别有效地治疗类风湿性关节炎。在某些实施方案中,本发明提供了一种包含多形拟杆菌物种的细菌菌株的组合物,其用于治疗类风湿性关节炎。在某些实施方案中,本发明提供了一种包含脆弱拟杆菌物种的细菌菌株的组合物,其用于治疗类风湿性关节炎。

[0012] 在其它优选实施方案中,本发明提供了一种包含拟杆菌属的细菌菌株的组合物,其用于治疗或预防多发性硬化的方法中。本发明人已经确定用拟杆菌属菌株治疗可以降低多发性硬化的小鼠模型中的发病率和疾病严重程度。在优选实施方案中,本发明提供了一种包含人粪拟杆菌物种的细菌菌株的组合物,其用于治疗多发性硬化。使用人粪拟杆菌的组

合物可以特别有效地治疗多发性硬化。在某些实施方案中,本发明提供了一种包含多形拟杆菌物种的细菌菌株的组合物,其用于治疗多发性硬化。在某些实施方案中,本发明提供了一种包含脆弱拟杆菌物种的细菌菌株的组合物,其用于治疗多发性硬化。

[0013] 在其它优选实施方案中,本发明提供了一种包含拟杆菌属的细菌菌株的组合物,其用于治疗或预防例如乳腺癌、肺癌或肝癌的癌症的方法中。包含拟杆菌属的细菌菌株的组合物可以减少乳腺癌、肺癌和肝癌的小鼠模型中的肿瘤生长。在某些实施方案中,组合物用于在癌症治疗中减小肿瘤尺寸或预防肿瘤生长的方法中。在某些实施例中,本发明提供了一种包含人粪拟杆菌物种的细菌菌株的组合物,其用于治疗癌症。在某些实施方案中,本发明提供了一种包含多形拟杆菌物种的细菌菌株的组合物,其用于治疗癌症。在某些实施方案中,本发明提供了一种包含脆弱拟杆菌物种的细菌菌株的组合物,其用于治疗癌症。

[0014] 在其它优选实施方案中,本发明提供了一种包含拟杆菌属的细菌菌株的组合物,其用于治疗或预防例如后葡萄膜炎的葡萄膜炎的方法中。在某些实施方案中,本发明提供了一种包含人粪拟杆菌物种的细菌菌株的组合物,其用于治疗葡萄膜炎。在某些实施方案中,本发明提供了一种包含多形拟杆菌物种的细菌菌株的组合物,其用于治疗葡萄膜炎。在某些实施方案中,本发明提供了一种包含脆弱拟杆菌物种的细菌菌株的组合物,其用于治疗葡萄膜炎。

[0015] 在某些实施方案中,本发明的组合物用于在由IL-17或Th17通路介导的疾病或病状的治疗或预防中减少IL-17产生或减少Th17细胞分化的方法中。具体来说,本发明的组合物可以用于在哮喘、类风湿性关节炎或多发性硬化的治疗或预防中减少IL-17产生或减少Th17细胞分化。优选地,本发明提供了包含人粪拟杆菌物种的细菌菌株的组合物,其用于在哮喘、类风湿性关节炎或多发性硬化或者哮喘、类风湿性关节炎、多发性硬化、葡萄膜炎或癌症的治疗或预防中减少IL-17产生或减少Th17细胞分化。在某些实施方案中,本发明提供了包含多形拟杆菌物种的细菌菌株的组合物,其用于在哮喘、类风湿性关节炎、多发性硬化、葡萄膜炎或癌症的治疗或预防中减少IL-17产生或减少Th17细胞分化。在某些实施方案中,本发明提供了包含脆弱拟杆菌物种的细菌菌株的组合物,其用于在哮喘、类风湿性关节炎、多发性硬化、葡萄膜炎或癌症的治疗或预防中减少IL-17产生或减少Th17细胞分化。

[0016] 在某些实施方案中,组合物用于具有高IL-17水平或Th17细胞的患者中。拟杆菌属菌株展示的对Th17炎性反应的作用可能特别有益于此类患者。

[0017] 在本发明的优选实施方案中,组合物中的细菌菌株属于人粪拟杆菌。也可以使用紧密相关的菌株,例如具有与人粪拟杆菌的细菌菌株的16s rRNA序列至少95%、96%、97%、98%、99%、99.5%或99.9%同一的16s rRNA序列的细菌菌株。优选地,细菌菌株具有与SEQ ID NO:1、2、3或4至少95%、96%、97%、98%、99%、99.5%或99.9%同一的16s rRNA序列。优选地,序列同一性是针对SEQ ID NO:4。优选地,用于本发明的细菌菌株具有由SEQ ID NO:4表示的16s rRNA序列。

[0018] 在本发明的其它优选实施方案中,组合物中的细菌菌株属于多形拟杆菌。也可以使用紧密相关的菌株,例如具有与多形拟杆菌的细菌菌株的16s rRNA序列至少95%、96%、97%、98%、99%、99.5%或99.9%同一的16s rRNA序列的细菌菌株。优选地,细菌菌株具有与SEQ ID NO:5至少95%、96%、97%、98%、99%、99.5%或99.9%同一的16s rRNA序列。优选地,用于本发明的细菌菌株具有由SEQ ID NO:5表示的16s rRNA序列。

[0019] 在本发明的其它优选实施方案中,组合物中的细菌菌株属于脆弱拟杆菌。也可以使用紧密相关的菌株,例如与CR626927.1具有序列同一性的基因组的细菌菌株。

[0020] 在某些实施方案中,本发明的组合物用于经口施用。经口施用本发明的菌株可以有效地治疗IL-17或Th17通路介导的疾病和病状。此外,经口施用便于患者和开业医师且允许传递到肠和/或部分或全部定殖肠部。

[0021] 在某些实施方案中,本发明的组合物包含一种或多种药学上可接受的赋形剂或载体。

[0022] 在某些实施方案中,本发明的组合物包含已冻干的细菌菌株。冻干是一项制备允许传递细菌的稳定组合物的有效和便利的技术。

[0023] 在某些实施方案中,本发明提供了一种包含如上所述的组合物的食品。

[0024] 在某些实施方案中,本发明提供了一种包括如上所述的组合物的疫苗组合物。

[0025] 另外,本发明提供了一种治疗或预防由IL-17或Th17通路介导的疾病或病状的方法,其包括施用包含拟杆菌属的细菌菌株的组合物。

[0026] 在研发以上发明时,本发明人已经鉴别和表征特别适用于疗法的细菌菌株。本发明的人粪拟杆菌菌株展示有效治疗本文中描述的疾病,例如关节炎、哮喘和多发性硬化。因此,在另一个方面中,本发明提供了一种以登记号NCIMB 42408保藏的人粪拟杆菌菌株或其衍生物的细胞。本发明还提供了包含此类细胞的组合物或此类细胞的生物纯培养物。本发明还提供了一种以登记号NCIMB 42408保藏的人粪拟杆菌菌株或其衍生物的细胞,其用于治疗中,尤其用于本文中描述的疾病。

[0027] 图示简单说明

[0028] 图1:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-总BAL流体细胞计数。

[0029] 图2:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-BALF中总嗜酸性粒细胞计数。

[0030] 图3:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-BALF中嗜酸性粒细胞比例。

[0031] 图4:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-BALF中总巨噬细胞计数。

[0032] 图5:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-BALF中巨噬细胞比例。

[0033] 图6:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-BALF中总中性粒细胞计数。

[0034] 图7:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-BALF中中性粒细胞比例。

[0035] 图8:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-BALF中总淋巴细胞计数。

[0036] 图9:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-BALF中淋巴细胞比例。

[0037] 图10:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-总BAL流体细胞计数。

[0038] 图11:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-BALF中总嗜酸性粒细胞计数。

[0039] 图12:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-BALF中嗜酸性粒细胞比例。

[0040] 图13:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-BALF中总巨噬细胞计数。

[0041] 图14:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-BALF中巨噬细胞比例。

[0042] 图15:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-BALF中总中性粒细胞计数。

[0043] 图16:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-BALF中中性粒细胞比例。

[0044] 图17:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-BALF中总淋巴细胞计数。

[0045] 图18:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-BALF中淋巴细胞比例。

[0046] 图19:类风湿性关节炎的小鼠模型-体重,第-14天到第0天。数据呈现为初始(第-

14天)体重的平均值 $\pm$ SEM百分比。统计显著性:当与媒介物处理组比较时,▲ $p<0.05$ 并且▲▲▲ $p<0.0001$ 。

[0047] 图20:类风湿性关节炎的小鼠模型-体重,第0天到第42天。数据呈现为初始(第0天)体重的平均值 $\pm$ SEM百分比。当与媒介物处理组比较时,▲ $p<0.05$ ,◆ $p<0.05$ ,▲▲▲ $p<0.001$ ,•••• $p<0.0001$ 。

[0048] 图21:类风湿性关节炎的小鼠模型-临床评分。数据呈现为平均值 $\pm$ SEM。当与媒介物处理组中第21天比较时,\*\*\*\* $p<0.0001$ 。当既定日与媒介物处理组比较时,◆,○ $p<0.05$ 。

[0049] 图22:类风湿性关节炎的小鼠模型-对II型胶原蛋白的脾细胞增殖反应。基于<sup>3</sup>H-TdR掺入,每分钟减去培养基本底[CII刺激-培养基本底]计数。所有数据呈现为平均值 $\pm$ SEM。

[0050] 图23:类风湿性关节炎的小鼠模型-来自媒介物处理组的组织培养上清液中IFN $\gamma$ 的水平。线表示组中位值。

[0051] 图24:类风湿性关节炎的小鼠模型-来自媒介物处理组的组织培养上清液中IL-17A的水平。线表示组中位值。

[0052] 图25:类风湿性关节炎的小鼠模型-来自媒介物处理组的组织培养上清液中IL-10的水平。线表示组中位值。

[0053] 图26:类风湿性关节炎的小鼠模型-来自媒介物处理组的组织培养上清液中IL-6的水平。线表示组中位值。

[0054] 图27:类风湿性关节炎的小鼠模型-来自生物治疗剂#675处理组(组4)的组织培养上清液中细胞因子的水平。线表示组中位值。

[0055] 图28:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-血清中总IgE。

[0056] 图29:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-血清中HDM特异性IgG1。

[0057] 图30:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-BALF中总IgE。

[0058] 图31:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-BALF中HDM特异性IgG1。

[0059] 图32:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-组织学分析-平均细支气管支气管周浸润评分。

[0060] 图33:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-组织学分析-平均血管周浸润评分。

[0061] 图34:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-组织学分析-平均炎症评分(细支气管支气管周与血管周浸润评分的平均值)。

[0062] 图35:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-组织学分析-粘液评分。

[0063] 图36:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-肺组织中IL-9水平。

[0064] 图37:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-肺组织中IL-1a水平。

[0065] 图38:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-肺组织中IFN $\gamma$ 水平。

[0066] 图39:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-肺组织中IL-17A水平。

[0067] 图40:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-肺组织中IL-4水平。

[0068] 图41:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-肺组织中IL-5水平。

[0069] 图42:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-肺组织中IL-1b水平。

[0070] 图43:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-肺组织中RANTES水平。

[0071] 图44:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-肺组织中MIP-1a水平。



- [0072] 图45:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-肺组织中KC水平。
- [0073] 图46:屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型-肺组织中MIP-2水平。
- [0074] 图47:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-血清中HDM特异性IgG1。
- [0075] 图48:严重中性粒细胞性哮喘-血清中HDM特异性IgG2a。
- [0076] 图49:严重中性粒细胞性哮喘-BALF中HDM特异性IgG1。
- [0077] 图50:严重中性粒细胞性哮喘-BALF中HDM特异性IgG2a。
- [0078] 图51:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-组织学分析-平均细支气管支气管周浸润评分。
- [0079] 图52:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-组织学分析-平均血管周浸润评分。
- [0080] 图53:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-组织学分析-平均炎症评分(细支气管支气管周与血管周浸润评分的平均值)。
- [0081] 图54:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-肺组织中TNF $\alpha$ 水平。
- [0082] 图55:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-肺组织中IL-1 $\alpha$ 水平。
- [0083] 图56:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-肺组织中IFN  $\gamma$  水平。
- [0084] 图57:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-肺组织中IL-17F水平。
- [0085] 图58:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-肺组织中IL-1 $\beta$ 水平。
- [0086] 图59:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-肺组织中RANTES水平。
- [0087] 图60:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-肺组织中MIP-2水平。
- [0088] 图61:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-肺组织中KC水平。
- [0089] 图62:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-肺组织中IL-17A水平。
- [0090] 图63:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-肺组织中MIP-1 $\alpha$ 水平。
- [0091] 图64:严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型-肺组织中IL-33水平。
- [0092] 图65:类风湿性关节炎的小鼠模型-组织病理学评分的目测模板。代表性影像展示胶原蛋白诱发的关节炎研究中来自小鼠跗关节的综合评分。
- [0093] 图66:类风湿性关节炎的小鼠模型-组织病理学:炎症评分。数据呈现为平均值 $\pm$ SEM。当与媒介物处理组比较时,\*\* $p < 0.01$ 。
- [0094] 图67:类风湿性关节炎的小鼠模型-组织病理学:媒介物处理组软骨评分。数据呈现为平均值 $\pm$ SEM。
- [0095] 图68:类风湿性关节炎的小鼠模型-组织病理学:骨骼评分。数据呈现为平均值 $\pm$ SEM。
- [0096] 图69:类风湿性关节炎的小鼠模型-组织病理学:总评分。数据呈现为平均值 $\pm$ SEM。
- [0097] 图70:类风湿性关节炎的小鼠模型-组织病理学:菌株#675。数据呈现为平均值 $\pm$ SEM。
- [0098] 图71:类风湿性关节炎的小鼠模型-组织病理学:代表性图。在括号之间指示动物ID(#n.n)和四肢(R为右,L为左)。左上影像(媒介物):炎症和纤维化延伸到关节周围的软组织的大范围关节和骨骼破坏。下影像(菌株#675):滑膜炎和滑囊炎病灶性延伸到关节周组织、轻度关节软骨损伤和关节内碎片,骨结构未受影响。
- [0099] 图72:多发性硬化的小鼠模型-临床评分。

[0100] 图73:多发性硬化的小鼠模型-发病率。

[0101] 发明详述

[0102] 细菌菌株

[0103] 本发明的组合物包含拟杆菌属的细菌菌株。所述实施例证明此种属的细菌可用于治疗或预防由IL-17或Th17通路介导的疾病和病状。优选的细菌菌株属于人粪拟杆菌。其它优选细菌菌株属于多形拟杆菌物种或脆弱拟杆菌物种。

[0104] 用于本发明的拟杆菌属物种的实例包括马赛拟杆菌 (*Bacteroides massiliensis*)、人粪拟杆菌、多形拟杆菌和粪拟杆菌 (*Bacteroides caccae*)。用于本发明的拟杆菌属物种的另一实例是脆弱拟杆菌。拟杆菌属是一种革兰氏阴性、专性厌氧的细菌种属。拟杆菌属物种是不形成内生孢子的细菌,并且可能运动或不运动,取决于物种。拟杆菌属物种构成哺乳动物肠胃细菌丛的一大部分,并且是加工复杂分子所不可或缺的。

[0105] 在EG血琼脂平板上培养的人粪拟杆菌细胞非常厌氧,不形成孢子,不运动并且呈革兰氏阴性。所述短杆或杆状细胞宽度是约 $0.8\mu\text{m}$ 并且长度可变,一般在 $1-4\mu\text{m}$ 范围内。人粪拟杆菌物种的示例菌株描述于[16]中。模式菌株M16<sup>T</sup>(=JCM 12979<sup>T</sup>=DSM 17136<sup>T</sup>)从健康人类的粪便分离。此物种中包括两种其它菌株[M11(=JCM 12980)和M156(=JCM 12981)]。这些人粪拟杆菌菌株的16S rRNA基因序列的GenBank/EMBL/DDBJ登记号是AB200223、AB200224和AB200225(本文中公开为SEQ ID NO:1、SEQ ID NO:2和SEQ ID NO:3)。

[0106] 以登记号NCIMB 42408保藏的人粪拟杆菌细菌在所述实施例中进行测试且在本文中又称为菌株675。测试的675菌株的16S rRNA序列提供于SEQ ID NO:4中。菌株675由4D Pharma Research有限公司(Life Sciences Innovation Building, Aberdeen, AB25 2ZS, Scotland)以“拟杆菌目(Bacteroidales) 675”在2015年5月13日保藏在国际保藏局NCIMB有限公司(Ferguson Building, Aberdeen, AB21 9YA, Scotland)并分配登记号NCIMB 42408。

[0107] 菌株675的基因组包含染色体和质粒。菌株675的染色体序列提供于SEQ ID NO:6中。菌株675的质粒序列提供于SEQ ID NO:7中。这些序列使用PacBio RS II平台产生。

[0108] 还预期与实施例中测试的菌株紧密相关的细菌菌株有效治疗或预防由IL-17或Th17通路介导的疾病和病状。在某些实施方案中,用于本发明的细菌菌株具有与人粪拟杆菌的细菌菌株的16s rRNA序列至少95%、96%、97%、98%、99%、99.5%或99.9%同一的16s rRNA序列。优选地,用于本发明的细菌菌株具有与SEQ ID NO:1、2、3或4至少95%、96%、97%、98%、99%、99.5%或99.9%同一的16s rRNA序列。优选地,序列同一性是针对SEQ ID NO:4。优选地,用于本发明的细菌菌株具有由SEQ ID NO:4表示的16s rRNA序列。

[0109] 用于本发明的另一优选细菌菌株是以登记号NCIMB 42341保藏的多形拟杆菌菌株。此菌株于2014年12月3日保藏在国际保藏局NCIMB有限公司(Ferguson Building, Aberdeen, AB21 9YA, Scotland)。

[0110] 用于本发明的其它优选多形拟杆菌菌株是模式菌株ATCC 29148=CCUG 10774=CIP 104206=DSM 2079=JCM 5827=NCTC 10582=VPI 5482和菌株WAL 2926=ATCC 29741。用于本发明的另一优选多形拟杆菌菌株是描述于EP1448995中的菌株。多形拟杆菌菌株WAL2926的16S rRNA基因序列的登记号是M58763(本文中公开为SEQ ID NO:5)。

[0111] 在某些实施方案中,用于本发明的细菌菌株具有与多形拟杆菌的细菌菌株的16s

rRNA序列至少95%、96%、97%、98%、99%、99.5%或99.9%同一的16s rRNA序列。优选地，用于本发明的细菌菌株具有与SEQ ID NO:5至少95%、96%、97%、98%、99%、99.5%或99.9%同一的16s rRNA序列。优选地，用于本发明的细菌菌株具有由SEQ ID NO:5表示的16s rRNA序列。

[0112] 用于本发明的一种优选脆弱拟杆菌菌株是模式菌株ATCC 25285=CCUG 4856=CIP 77.16=DSM 2151=JCM 11019=LMG 10263=NCTC 9343。脆弱拟杆菌NCTC 9343菌株完整基因组的登记号是CR626927.1(型式:CR626927.1,GI:60491031)。

[0113] 在某些实施方案中，用于本发明的细菌菌株具有与CR626927.1具有序列同一性的基因组。在优选实施方案中，用于本发明的细菌菌株具有在CR626927.1的至少60% (例如至少65%、70%、75%、80%、85%、95%、96%、97%、98%、99%或100%) 上与CR626927.1具有至少90%序列同一性 (例如至少92%、94%、95%、96%、97%、98%、99%或100%序列同一性) 的基因组。举例来说，用于本发明的细菌菌株可以具有在CR626927.1的70%上与CR626927.1至少90%序列一致，或在CR626927.1的80%上与CR626927.1至少90%序列一致，或在CR626927.1的90%上与CR626927.1至少90%序列同一，或在CR626927.1的100%上与CR626927.1至少90%序列同一，或在CR626927.1的70%上与CR626927.1至少95%序列同一，或在CR626927.1的80%上与CR626927.1至少95%序列同一，或在CR626927.1的90%上与CR626927.1至少95%序列同一，或在CR626927.1的100%上与CR626927.1至少95%序列同一，或在CR626927.1的70%上与CR626927.1至少98%序列同一，或在CR626927.1的80%上与CR626927.1至少98%序列同一，或在CR626927.1的90%上与CR626927.1至少98%序列同一，或在CR626927.1的100%上与CR626927.1至少98%序列同一的基因组。

[0114] 在某些实施方案中，用于本发明的细菌菌株具有与SEQ ID NO:6具有序列同一性的染色体。在优选实施方案中，用于本发明的细菌菌株具有在SEQ ID NO:6的至少60% (例如至少65%、70%、75%、80%、85%、95%、96%、97%、98%、99%或100%) 上与SEQ ID NO:6具有至少90%序列同一性 (例如至少92%、94%、95%、96%、97%、98%、99%或100%序列同一性) 的染色体。举例来说，用于本发明的细菌菌株可以具有在SEQ ID NO:6的70%上与SEQ ID NO:6至少90%序列同一，或在SEQ ID NO:6的80%上与SEQ ID NO:6至少90%序列同一，或在SEQ ID NO:6的90%上与SEQ ID NO:6至少90%序列同一，或在SEQ ID NO:6的100%上与SEQ ID NO:6至少90%序列同一，或在SEQ ID NO:6的70%上与SEQ ID NO:6至少95%序列同一，或在SEQ ID NO:6的80%上与SEQ ID NO:6至少95%序列同一，或在SEQ ID NO:6的90%上与SEQ ID NO:6至少95%序列同一，或在SEQ ID NO:6的100%上与SEQ ID NO:6至少95%序列同一，或在SEQ ID NO:6的70%上与SEQ ID NO:6至少98%序列同一，或在SEQ ID NO:6的80%上与SEQ ID NO:6至少98%序列同一，或在SEQ ID NO:6的90%上与SEQ ID NO:6至少98%序列同一，或在SEQ ID NO:6的100%上与SEQ ID NO:6至少98%序列同一的染色体。

[0115] 在某些实施方案中，用于本发明的细菌菌株具有与SEQ ID NO:7具有序列同一性的质粒。在优选实施方案中，用于本发明的细菌菌株具有在SEQ ID NO:7的至少60% (例如至少65%、70%、75%、80%、85%、95%、96%、97%、98%、99%或100%) 上与SEQ ID NO:7至少90%序列同一 (例如至少92%、94%、95%、96%、97%、98%、99%或100%序列同一) 的质粒。举例来说，用于本发明的细菌菌株可以具有在SEQ ID NO:7的70%上与SEQ ID NO:7

至少90%序列同一,或在SEQ ID NO:7的80%上与SEQ ID NO:7至少90%序列同一,或在SEQ ID NO:7的90%上与SEQ ID NO:7至少90%序列同一,或在SEQ ID NO:7的100%上与SEQ ID NO:7至少90%序列同一,或在SEQ ID NO:7的70%上与SEQ ID NO:7至少95%序列同一,或在SEQ ID NO:7的80%上与SEQ ID NO:7至少95%序列同一,或在SEQ ID NO:7的90%上与SEQ ID NO:7至少95%序列同一,或在SEQ ID NO:7的100%上与SEQ ID NO:7至少95%序列同一,或在SEQ ID NO:7的70%上与SEQ ID NO:7至少98%序列同一,或在SEQ ID NO:7的80%上与SEQ ID NO:7至少98%序列同一,或在SEQ ID NO:7的90%上与SEQ ID NO:7至少98%序列同一,或在SEQ ID NO:7的100%上与SEQ ID NO:7至少98%序列同一的质粒。

[0116] 在某些实施方案中,用于本发明的细菌菌株具有与SEQ ID NO:6具有序列同一性的染色体和与SEQ ID NO:7具有序列同一性的质粒。

[0117] 还预期作为以登记号42408保藏的细菌的生物型的细菌菌株有效治疗或预防由IL-17或Th17通路介导的疾病和病状。还预期作为以登记号NCIMB 42341、ATCC 29148或ATCC 29741保藏的细菌的生物型的细菌菌株有效治疗或预防由IL-17或Th17通路介导的疾病和病状。生物型是具有相同或极类似的生理和生物化学特性的密切相关菌株。

[0118] 作为以登记号NCIMB 42408、NCIMB 42341、ATCC 29148或ATCC 29741保藏的细菌的生物型且适合用于本发明中的菌株可以通过对以登记号NCIMB 42408、NCIMB 42341、ATCC 29148或ATCC 29741保藏的细菌的其它核苷酸序列进行测序来鉴别。举例来说,基本上全基因组可以进行测序,且用于本发明的生物型菌株可以在其全基因组的至少80%上(例如在至少85%、90%、95%或99%上或在其全基因组上)具有至少95%、96%、97%、98%、99%、99.5%或99.9%序列同一性。用于鉴别生物型菌株的其它适合序列可以包括hsp60或重复序列,例如BOX、ERIC、(GTG)<sub>5</sub>或REP或[17]。生物型菌株可以具有与以登记号NCIMB 42408、NCIMB 42341、ATCC 29148或ATCC 29741保藏的细菌的对应序列至少95%、96%、97%、98%、99%、99.5%或99.9%序列同一的序列。

[0119] 或者,作为以登记号NCIMB 42408、NCIMB 42341、ATCC 29148或ATCC 29741保藏的细菌的生物型且适用于本发明中的菌株可以通过使用登记号NCIMB 42408保藏物或登记号NCIMB 42341保藏物或登记号ATCC 29148保藏物或登记号ATCC 29741保藏物和限制性片段分析和/或PCR分析,例如通过使用荧光扩增片段长度多态性(fluorescent amplified fragment length polymorphism,FAFLP)和重复DNA组件(rep)-PCR指纹法,或蛋白质谱分析,或部分16S或23S rDNA测序来鉴别。在优选实施方案中,此类技术可以用于鉴别其它人粪拟杆菌或多形拟杆菌菌株。

[0120] 在某些实施方案中,作为以登记号NCIMB 42408、NCIMB 42341、ATCC 29148或ATCC 29741保藏的细菌的生物型且适用于本发明中的菌株是当通过扩增核糖体DNA限制性分析(amplified ribosomal DNA restriction analysis,ARDRA)进行分析时,例如当使用Sau3AI限制酶(关于示例性方法和指导参见例如[18])时提供与以登记号NCIMB 42408、NCIMB 42341、ATCC 29148或ATCC 29741保藏的细菌相同模式的菌株。或者,生物型菌株被确定是具有与以登记号NCIMB 42408、NCIMB 42341、ATCC 29148或ATCC 29741保藏的细菌相同的碳水化合物发酵模式的菌株。

[0121] 适用于本发明的组合物和方法的其它拟杆菌属菌株,例如以登记号NCIMB 42408、NCIMB 42341、ATCC 29148或ATCC 29741保藏的细菌的生物型可以使用任何适当方法或策

略,包括实施例中描述的测定来鉴别。举例来说,用于本发明中的菌株可以通过在厌氧YCFA中培养和/或将细菌施用到II型胶原蛋白诱发的关节炎小鼠模型并接着评估细胞因子水平来鉴别。具体来说,具有与以登记号NCIMB42408、NCIMB 42341、ATCC 29148或ATCC 29741保藏的细菌类似的生长模式、代谢类型和/或表面抗原的细菌菌株可用于本发明。适用的菌株将具有与NCIMB 42408、NCIMB 42341、ATCC 29148或ATCC 29741菌株相当的免疫调节活性。具体来说,生物型菌株将对哮喘、关节炎和多发性硬化疾病模型引起与实施例中所示的作用相当的作用,并且对细胞因子水平引起与实施例中所示的作用相当的作用,其可以通过使用实施例中描述的培养和施用方案来鉴别。

[0122] 本发明的一种尤其优选的菌株是以登记号NCIMB 42408保藏的人粪拟杆菌菌株。它是实施例中测试的示例性675菌株并且展示有效治疗疾病。因此,本发明提供了以登记号NCIMB 42408保藏的人粪拟杆菌菌株或其衍生物的细胞,例如分离细胞。本发明还提供了一种组合物,其包含以登记号NCIMB 42408保藏的人粪拟杆菌菌株或其衍生物的细胞。本发明还提供了一种以登记号NCIMB 42408保藏的人粪拟杆菌菌株的生物纯培养物。本发明还提供了以登记号NCIMB42408保藏的人粪拟杆菌菌株或其衍生物的细胞,其用于治疗中,尤其用于本文中描述的疾病。

[0123] 以登记号NCIMB 42408、NCIMB 42341、ATCC 29148或ATCC29741保藏的菌株的衍生物可以是子代菌株(后代)或从原始菌株培养(亚克隆)的菌株。本发明菌株的衍生物可以例如在基因水平下进行修饰,而不消除生物活性。具体来说,本发明的衍生菌株具治疗活性。衍生菌株将具有与原始NCIMB 42408、NCIMB 42341、ATCC 29148或ATCC 29741菌株相当的免疫调节活性。具体来说,衍生菌株将对哮喘、关节炎和多发性硬化疾病模型引起与实施例中所示的作用相当的作用,并且对细胞因子水平引起与实施例中所示的作用相当的作用,其可以通过使用实施例中描述的培养和施用方案来鉴别。NCIMB42408菌株的衍生物一般将是NCIMB 42408菌株的生物型。NCIMB42341、ATCC 29148或ATCC 29741菌株的衍生物一般将是NCIMB42341、ATCC 29148或ATCC 29741菌株的生物型。

[0124] 对以登记号NCIMB 42408保藏的人粪拟杆菌菌株的细胞的提及涵盖具有与以登记号NCIMB 42408保藏的菌株相同的安全性和治疗功效特性的任何细胞,并且本发明涵盖此类细胞。对以登记号NCIMB42341、ATCC 29148或ATCC 29741保藏的多形拟杆菌菌株的细胞的提及涵盖具有与以登记号NCIMB 42341、ATCC 29148或ATCC 29741保藏的菌株相同的安全性和治疗功效特性的任何细胞,并且本发明涵盖此类细胞。

[0125] 在优选实施方案中,本发明组合物中的细菌菌株能存活并能够部分或全部定殖肠部。

[0126] 治疗用途

[0127] 如实施例中证明,本发明的细菌组合物有效减少Th17炎性反应。具体来说,用本发明的组合物治疗实现IL-17A水平的降低和其它Th17通路细胞因子的减少,以及由IL-17和Th17通路介导的病状的动物模型中的临床改善。因此,本发明的组合物可用于治疗或预防炎性和自身免疫性疾病和尤其由IL-17介导的疾病或病状。具体来说,本发明的组合物可用于减少IL-17炎性反应或预防IL-17炎性反应升高。

[0128] Th17细胞是产生例如IL-17A、IL17-F、IL-21和IL 22的T辅助细胞子集。Th17细胞分化和IL-17表达可能由IL-23驱动。这些细胞因子和其它因子形成Th17通路的重要部分,

Th17通路是公认的炎症信号传导通路,其促成且引起大量的炎性和自身免疫性疾病(如例如[19-24]中所述)。使Th17通路活化的疾病是Th17通路介导的疾病。Th17通路介导的疾病可以通过抑制Th17通路来改善或减轻,Th17通路可以通过减少Th17细胞分化或降低其活性或降低Th17通路细胞因子的水平来抑制。由Th17通路介导的疾病可以通过由Th17细胞产生的细胞因子,例如IL-17A、IL-17F、IL-21、IL-22、IL-26、IL-9的水平增加来表征([25]中评述)。由Th17通路介导的疾病可以通过Th-17相关基因,例如Stat3或IL-23R的表达增加来表征。由Th17通路介导的疾病可能与增加的Th17细胞水平相关。

[0129] IL-17是一种促炎性细胞因子,其促成若干炎性和自身免疫性疾病和病状的发病机理。如本文所用,IL-17可以指IL-17家族的任何成员,包括IL-17A、IL-17B、IL-17C、IL-17D、IL-17E和IL-17F。IL-17介导的疾病和病状的特征在于罹患所述疾病或病状的组织中IL-17的高表达和/或IL-17阳性细胞的累积或存在。类似地,IL-17介导的疾病和病状是因高IL-17水平或IL-17水平增加而加重且因低IL-17水平或IL-17水平降低而减轻的疾病和病状。IL-17炎症反应可以是局部或全身性的。

[0130] 可能由IL-17或Th17通路介导的疾病和病状的实例包括多发性硬化;关节炎,例如类风湿性关节炎、骨关节炎、牛皮癣性关节炎或幼年特发性关节炎;视神经脊髓炎(德维克氏病);强直性脊柱炎;脊柱关节炎;牛皮癣;系统性红斑狼疮;炎性肠病,例如克罗恩氏病或溃疡性结肠炎;乳糜泻;哮喘,例如过敏性哮喘或中性粒细胞性哮喘;慢性阻塞性肺病(COPD);癌症,例如乳腺癌、结肠癌、肺癌或卵巢癌;葡萄膜炎;巩膜炎;血管炎;白塞氏病;动脉粥样硬化;异位性皮炎;肺气肿;牙周炎;过敏性鼻炎;以及同种异体移植排斥。在优选实施方案中,本发明的组合物用于治疗或预防这些病状或疾病中的一种或多种。在其它优选实施方案中,这些病状或疾病由IL-17或Th17通路介导。

[0131] 在某些实施方案中,本发明的组合物用于在由IL-17或Th17通路介导的疾病或病状的治疗或预防中减少IL-17产生或减少Th17细胞分化的方法中。在某些实施方案中,本发明的组合物用于治疗或预防炎性或自身免疫性疾病,其中所述治疗或预防通过减少Th17炎症反应或预防其升高来实现。在某些实施方案中,本发明的组合物用于治疗患有炎性或自身免疫性疾病的患者中,其中所述患者具有高IL-17水平或升高的Th17细胞或展现Th17炎症反应。在某些实施方案中,患者可以经诊断患有慢性炎性或自身免疫性疾病或病状,或本发明的组合物可以用于预防炎性或自身免疫性疾病或病状发展成为慢性炎性或自身免疫性疾病或病状。在某些实施方案中,疾病或病状可能对用TNF- $\alpha$ 抑制剂治疗不起反应。本发明的这些用途可以应用于前段中列出的任何特定疾病或病状。

[0132] IL-17和Th17通路常常与慢性炎性和自身免疫性疾病相关,因此本发明的组合物可能特别适用于治疗或预防如上列出的慢性疾病或病状。在某些实施方案中,组合物用于患有慢性疾病的患者中。在某些实施方案中,组合物用于预防慢性疾病发展。

[0133] 本发明的组合物可用于治疗由IL-17或Th17通路介导的疾病和病状且对付Th17炎症反应,因此本发明的组合物可能特别适用于治疗或预防慢性疾病、治疗或预防对其它疗法(例如用TNF- $\alpha$ 抑制剂治疗)不起反应的患者的疾病,和/或治疗或预防与IL-17和Th17细胞相关的组织损伤和症状。举例来说,已知IL-17活化软骨和骨组织中的基质破坏并且IL-17对软骨细胞和成骨细胞中的基质产生具有抑制作用,因此本发明的组合物可用于治疗或预防骨质侵蚀或软骨损伤。

[0134] 在某些实施方案中,用本发明的组合物治疗降低IL-17水平、尤其IL-17A水平或预防其升高。在某些实施方案中,用本发明的组合物治疗降低IFN- $\gamma$ 、IL-1 $\beta$ 、RANTES、MIP-1 $\alpha$ 、IL-8或IL-6水平或预防其升高。这些细胞因子的水平的此类降低或预防水平升高可用于治疗或预防炎症和自身免疫性疾病和病状,尤其由IL-17或Th17通路介导的疾病和病状。

[0135] 哮喘

[0136] 在优选实施方案中,本发明的组合物用于治疗或预防哮喘。实施例证明在用屋尘螨提取物致敏和激发后本发明的组合物减少中性粒细胞和/或嗜酸性粒细胞募集到气道中,因此其可用于治疗或预防哮喘。哮喘是一种特征为气道有炎症且受限制的慢性疾病。哮喘炎症可能由IL-17和/或Th17细胞介导,因此本发明的组合物可以特别有效地预防或治疗哮喘。哮喘炎症可能由嗜酸性粒细胞和/或中性粒细胞介导。

[0137] 在某些实施方案中,哮喘是嗜酸性粒细胞性或过敏性哮喘。嗜酸性粒细胞性和过敏性哮喘的特征是外周血和气道分泌物中嗜酸性粒细胞数目增加且在病理学上与基底膜区域变厚相关并且在药理学上与皮质类固醇反应相关[26]。减少或抑制嗜酸性粒细胞募集或活化的组合物可用于治疗或预防嗜酸性粒细胞性和过敏性哮喘。

[0138] 在其它实施方案中,本发明的组合物用于治疗或预防中性粒细胞性哮喘(或非嗜酸性粒细胞性哮喘)。高中性粒细胞数目与可能对皮质类固醇治疗不敏感的重症哮喘有关。减少或抑制中性粒细胞募集或活化的组合物可用于治疗或预防中性粒细胞性哮喘。

[0139] 嗜酸性粒细胞性和中性粒细胞性哮喘并非是互斥的病状且一般帮助对付嗜酸性粒细胞和中性粒细胞反应任一者的治疗都可用于治疗哮喘。

[0140] IL-17水平增加和Th17通路活化与重症哮喘有关,因此本发明的组合物可用于预防重症哮喘的发展或用于治疗重症哮喘。

[0141] 在某些实施方案中,本发明的组合物用于在哮喘治疗或预防中降低嗜酸性粒细胞炎性反应的方法中,或用于在哮喘治疗或预防中降低中性粒细胞炎性反应的方法中。如上所指出,哮喘中高水平嗜酸性粒细胞在病理学上与基底膜区域变厚相关,因此在哮喘治疗或预防中减少嗜酸性粒细胞炎性反应也许能特别地对付所述疾病的此特征。此外,与升高的嗜酸性粒细胞组合或其不存在的升高的嗜中性粒细胞与重症哮喘和慢性气道变窄有关。因此,减少中性粒细胞炎性反应可能特别适用于对付重症哮喘。

[0142] 在某些实施方案中,组合物减少过敏性哮喘中的细支气管支气管周浸润,或用于在过敏性哮喘的治疗中减少细支气管支气管周浸润。在某些实施方案中,组合物减少中性粒细胞性哮喘中的细支气管支气管周和/或血管周浸润,或用于在过敏性中性粒细胞性哮喘的治疗中减少细支气管支气管周和/或血管周浸润。

[0143] 在某些实施方案中,用本发明的组合物治疗降低IL-1 $\beta$ 、IFN $\gamma$ 、RANTES、MIP-1 $\alpha$ 或IL-8水平或预防其升高。

[0144] 在某些实施方案中,本发明的组合物用于减少嗜酸性粒细胞性和/或中性粒细胞炎性反应的哮喘治疗方法中。在某些实施方案中,待治疗的患者已经或先前已经被鉴别为具有高水平的嗜中性粒细胞或嗜酸性粒细胞,例如通过采血或唾液分析来鉴别。

[0145] 本发明的组合物在施用于新生儿或孕妇时可用于预防新生儿中的哮喘发展。组合物可用于预防儿童中的哮喘发展。本发明的组合物可用于治疗或预防成年发作型哮喘。本发明的组合物可用于管理或减轻哮喘。本发明的组合物可能特别适用于减少与由例如屋尘

螨等过敏原加重的哮喘相关的症状。

[0146] 治疗或预防哮喘可以指例如减轻症状严重度或降低恶化频率或缩小触发物的范围,这些症状、恶化和触发物对患者来说会引起问题。

#### [0147] 关节炎

[0148] 在优选实施方案中,本发明的组合物用于治疗或预防类风湿性关节炎(rheumatoid arthritis, RA)。实施例证明本发明的组合物减少小鼠模型中RA的临床征象,减少软骨和骨骼损伤,并且减少IL-17炎性反应,因此其可用于治疗或预防RA。RA是一种主要影响关节的全身性炎性病症。RA与引起关节肿胀、滑膜增生以及软骨和骨骼破坏的炎性反应有关。IL-17和Th17在RA中可能具有关键作用,例如因为IL-17抑制软骨细胞和成骨细胞中的基质产生,并且活化基质金属蛋白酶的产生和功能,且因为RA疾病活动性与IL-17水平和Th-17细胞数相关[27, 28],因此本发明的组合物可特别有效预防或治疗RA。

[0149] 在某些实施方案中,本发明的组合物用于在RA治疗或预防中降低IL-17水平或预防IL-17水平升高。在某些实施方案中,用本发明的组合物治疗降低IL-17水平、尤其IL-17A水平或预防其升高。在某些实施方案中,用本发明的组合物治疗降低IFN- $\gamma$ 或IL-6水平或预防其升高。

[0150] 在某些实施方案中,用本发明的组合物治疗减少关节肿胀。在某些实施方案中,本发明的组合物用于关节肿胀的患者或经鉴别处于关节肿胀风险中的患者中。在某些实施方案中,本发明的组合物用于减少RA中的关节肿胀的方法中。

[0151] 在某些实施方案中,用本发明的组合物治疗减少软骨损伤或骨骼损伤。在某些实施方案中,本发明的组合物用于在RA治疗中减少或预防软骨或骨骼损伤。在某些实施方案中,组合物用于治疗患有严重RA的处于软骨或骨骼损伤风险中的患者。

[0152] IL-17水平和Th17细胞数增加与RA中软骨和骨组织破坏有关[27, 28]。已知IL-17活化软骨和骨组织中的基质破坏并且IL-17对软骨细胞和成骨细胞中的基质产生具有抑制作用。因此,在某些实施方案中,本发明的组合物用于在RA治疗中预防骨质侵蚀或软骨损伤。在某些实施方案中,组合物用于治疗展现骨质侵蚀或软骨损伤的患者或经鉴别处于骨质侵蚀或软骨损伤风险中的患者。

[0153] TNF- $\alpha$ 也与RA相关,但TNF- $\alpha$ 不参与此病后期的发病机理。相比之下,IL-17在整个慢性疾病阶段具有作用[29]。因此,在某些实施方案中,本发明的组合物用于治疗慢性RA或晚期RA,例如包括关节破坏和软骨丧失的疾病。在某些实施方案中,本发明的组合物用于治疗先前已接受抗TNF- $\alpha$ 疗法的患者。在某些实施方案中,尚未治疗的患者不对或不再对抗TNF- $\alpha$ 疗法起反应。

[0154] 本发明的组合物可用于调节患者的免疫系统,因此,在某些实施方案中,本发明的组合物用于预防已经被鉴别为处于RA风险中或已经被诊断为患有早期RA的患者的RA。本发明的组合物可用于预防RA发展。

[0155] 本发明的组合物可用于管理或减轻RA。本发明的组合物可能特别适用于减少与关节肿胀或骨组织破坏相关的症状。治疗或预防RA可指例如减轻症状严重度或降低恶化频率或缩小触发物的范围,这些症状、恶化和触发物对患者来说会引起问题。

#### [0156] 多发性硬化

[0157] 在优选实施方案中,本发明的组合物用于治疗或预防多发性硬化。实施例证明本



发明的组合物降低多发性硬化小鼠模型(EAE模型)的发病率和疾病严重度,因此其可用于治疗或预防多发性硬化。多发性硬化是一种与神经元、特别是脑和脊柱中的神经元的髓鞘损伤相关的炎症病症。多发性硬化是一种慢性疾病,其逐步丧失活动能力且连串进展。IL-17和Th17细胞在多发性硬化中可能具有关键作用,例如因为IL-17水平可能与多发性硬化病变相关,IL-17会破坏血脑屏障内皮细胞的紧密接头,且Th17细胞会迁移到中枢神经系统中并引起神经元丧失[30,31]。因此,本发明的组合物可以特别有效预防或治疗多发性硬化。

[0158] 在某些实施方案中,用本发明的组合物治疗降低发病率或疾病严重度。在某些实施方案中,本发明的组合物用于降低发病率或疾病严重度。在某些实施方案中,用本发明的组合物治疗预防运动功能衰退或改善运动功能。在某些实施方案中,本发明的组合物用于预防运动功能衰退或用于改善运动功能。在某些实施方案中,用本发明的组合物治疗预防出现瘫痪。在某些实施方案中,本发明的组合物在多发性硬化治疗中用于预防瘫痪。

[0159] 本发明的组合物可用于调节患者的免疫系统,因此,在某些实施方案中,本发明的组合物用于预防已经被鉴别为处于多发性硬化风险中或已经被诊断为患有早期多发性硬化或“复发缓解型”多发性硬化的患者的多发性硬化。本发明的组合物可用于预防出现硬化症。实际上,实施例展示施用本发明的组合物预防许多小鼠中出现疾病。

[0160] 本发明的组合物可用于管理或减轻多发性硬化。本发明的组合物可能特别适用于减少与多发性硬化相关的症状。治疗或预防多发性硬化可以指例如减轻症状严重度或降低恶化频率或缩小触发物的范围,这些症状、恶化和触发物对患者来说会产生问题。

[0161] 癌症

[0162] 在优选实施方案中,本发明的组合物用于治疗或预防癌症。IL-17和Th17通路在癌症发展和进展中具有重要作用,因此本发明的组合物可用于治疗或预防癌症。

[0163] 虽然IL-17和Th17细胞在癌症中的作用尚未完全了解,但已知IL-17和Th17细胞的许多促肿瘤作用。举例来说,Th17细胞和IL-17可以促进血管生成,增加增生和肿瘤细胞存活并且活化促肿瘤转录因子[32-34]。

[0164] 在某些实施方案中,用本发明的组合物治疗减小肿瘤尺寸或减少肿瘤生长。在某些实施方案中,本发明的组合物用于减小肿瘤尺寸或减少肿瘤生长。本发明的组合物可以有效减小肿瘤尺寸或生长。在某些实施方案中,本发明的组合物用于具有实体瘤的患者中。在某些实施方案中,本发明的组合物在癌症治疗中用于减少或预防血管生成。IL-17和Th17细胞在血管生成中具有重要作用。在某些实施方案中,本发明的组合物用于预防转移。

[0165] 在优选实施方案中,本发明的组合物用于治疗或预防乳腺癌。本发明的组合物可以有效治疗乳腺癌,并且IL-17和Th17细胞在乳腺癌中具有重要作用[35]。在某些实施方案中,本发明的组合物用于在乳腺癌治疗中减小肿瘤尺寸,减少肿瘤生长,或减少血管生成。在优选实施方案中,癌症是乳腺癌。在优选实施方案中,癌症是IV期乳腺癌。

[0166] 在某些实施方案中,本发明的组合物用于治疗或预防肺癌。本发明的组合物可以有效治疗肺癌,并且IL-17和Th17细胞在肺癌中具有重要作用[36]。在某些实施方案中,本发明的组合物用于在肺癌治疗中减小肿瘤尺寸,减少肿瘤生长,或减少血管生成。在优选实施方案中,癌症是肺癌。

[0167] 在某些实施方案中,本发明的组合物用于治疗或预防肝癌。本发明的组合物可以

有效治疗肝癌,并且IL-17和Th17细胞在肝癌中具有重要作用[37]。在某些实施方案中,本发明的组合物用于在肝癌治疗中减小肿瘤尺寸,减少肿瘤生长,或减少血管生成。在优选实施方案中,癌症是肝癌(肝细胞癌)。

[0168] 在某些实施方案中,本发明的组合物用于治疗或预防癌瘤。本发明的组合物可以尤其有效治疗癌瘤。在某些实施方案中,本发明的组合物用于治疗或预防非免疫原性癌。本发明的组合物可以有效治疗非免疫原性癌。

[0169] 在其它实施方案中,本发明的组合物用于治疗或预防急性成淋巴细胞性白血病(acute lymphoblastic leukemia, ALL)、急性骨髓性白血病、肾上腺皮质癌、基细胞癌、胆管癌、膀胱癌、骨肿瘤、骨肉瘤/恶性纤维组织细胞瘤、脑干神经胶质瘤、脑肿瘤、小脑星形细胞瘤、大脑星形细胞瘤/恶性神经胶质瘤、室管膜瘤、髓母细胞瘤、幕上原始神经外胚层肿瘤、乳腺癌、支气管腺瘤/类癌瘤、伯基特氏淋巴瘤(Burkitt's lymphoma)、类癌瘤肿瘤、子宫颈癌、慢性淋巴细胞性白血病、慢性骨髓性白血病、慢性脊髓增生、结肠癌、皮肤T细胞淋巴瘤、子宫内膜癌、室管膜瘤、食道癌、尤因肉瘤(Ewing's sarcoma)、眼内黑色素瘤、视网膜母细胞瘤、胆囊癌、胃癌、胃肠道类癌肿瘤、胃肠基质肿瘤(gastrointestinal stromal tumor, GIST)、生殖细胞肿瘤、儿童期视觉通路和下丘脑神经胶质瘤、霍奇金氏淋巴瘤(Hodgkin lymphoma)、黑色素瘤、胰岛细胞癌、卡波西氏肉瘤(Kaposi sarcoma)、肾细胞癌、喉癌、白血病、淋巴瘤、间皮瘤、神经母细胞瘤、非霍奇金淋巴瘤、口咽癌、骨肉瘤、卵巢癌、胰腺癌、甲状旁腺癌、咽癌、垂体腺瘤、浆细胞瘤形成、前列腺癌、肾细胞癌、视网膜母细胞瘤、肉瘤、睾丸癌、甲状腺癌或子宫癌。

[0170] 本发明的组合物在与其它治疗剂组合使用时可能特别有效。本发明组合物的免疫调节作用可能在与更直接的抗癌剂组合时有效。因此,在某些实施方案中,本发明提供了一种组合物,其包含拟杆菌属的细菌菌株和抗癌剂。在优选实施方案中,抗癌剂是免疫检查点抑制剂、靶向抗体免疫疗法、CAR-T细胞疗法、溶瘤病毒或抑制细胞生长药物。在优选实施方案中,组合物包含选自以下组成的群组的抗癌剂:Yervoy(易普利单抗(ipilimumab), BMS);Keytruda(派姆单抗(pembrolizumab), Merck);Opdivo(纳武单抗(nivolumab), BMS);MEDI4736(AZ/MedImmune);MPDL3280A(Roche/Genentech);曲美目单抗(Tremelimumab)(AZ/MedImmune);CT-011(皮利珠单抗(pidilizumab), CureTech);BMS-986015(利鲁单抗(lirilumab), BMS);MEDI0680(AZ/MedImmune);MSB-0010718C(Merck);PF-05082566(Pfizer);MEDI6469(AZ/MedImmune);BMS-986016(BMS);BMS-663513(优瑞路单抗(urelumab), BMS);IMP321(Prima Biomed);LAG525(Novartis);ARGX-110(arGEN-X);PF-05082466(Pfizer);CDX-1127(瓦利路单抗(varlilumab);CellDex Therapeutics);TRX-518(GITR Inc.);MK-4166(Merck);JTX-2011(Jounce Therapeutics);ARGX-115(arGEN-X);NLG-9189(英多莫德(indoximod), NewLink Genetics);INCB024360(Incyte);IPH2201(Innate Immunotherapeutics/AZ);NLG-919(NewLink Genetics);抗VISTA(JnJ);依帕斯塔特(Epacadostat)(INCB24360, Incyte);F001287(Flexus/BMS);CP 870893(University of Pennsylvania);MGA271(MacroGenix);依玛珠单抗(Emactuzumab)(Roche/Genentech);加尼斯替(Galunisertib)(Eli Lilly);优库路单抗(Ulocuplumab)(BMS);BKT140/BL8040(Biokine Therapeutics);巴维昔单抗(Bavituximab)(Peregrine Pharmaceuticals);CC 90002(Celgene);852A(Pfizer);VTX-2337(VentiRx Pharmaceuticals);IMO-2055

(Hybridon, Idera Pharmaceuticals); LY2157299 (Eli Lilly); EW-7197 (Ewha Women's University, Korea); 威罗菲尼 (Vemurafenib) (Plexxikon); 达拉菲尼 (Dabrafenib) (Genentech/GSK); BMS-777607 (BMS); BLZ945 (Memorial Sloan-Kettering Cancer Centre); Unituxin (地土昔单抗 (dinutuximab), United Therapeutics Corporation); Blincyto (布尔莫单抗 (blinatumomab), Amgen); Cyramza (雷莫芦单抗 (ramucirumab), Eli Lilly); Gazyva (欧努珠单抗 (obinutuzumab), Roche/Biogen); Kadcyla (阿多曲妥珠单抗恩他新 (ado-trastuzumab emtansine), Roche/Genentech); Perjeta (帕妥珠单抗 (pertuzumab), Roche/Genentech); Adcetris (布瑞西单抗维多新 (brentuximab vedotin), Takeda/Millennium); Arzerra (奥法木单抗 (ofatumumab), GSK); Vectibix (帕尼单抗 (panitumumab), Amgen); Avastin (贝伐单抗 (bevacizumab), Roche/Genentech); Erbitux (西妥昔单抗 (cetuximab), BMS/Merck); Bexxar (托西莫单抗 (tositumomab)-I131, GSK); Zevalin (替伊莫单抗 (ibritumomab tiuxetan), Biogen); Campath (阿仑单抗 (alemtuzumab), Bayer); Mylotarg (吉妥珠单抗奥唑米星 (gemtuzumab ozogamicin), Pfizer); Herceptin (曲妥珠单抗 (trastuzumab), Roche/Genentech); Rituxan (利妥昔单抗 (rituximab), Genentech/Biogen); 伏洛昔单抗 (volociximab) (Abbvie); 艾那维单抗 (Enavatuzumab) (Abbvie); ABT-414 (Abbvie); 埃罗妥珠单抗 (Elotuzumab) (Abbvie/BMS); ALX-0141 (Ablynx); 奥扎利单抗 (Ozaralizumab) (Ablynx); 埃替单抗 (Actimab)-C (Actinium); 埃替单抗-P (Actinium); 米拉珠单抗-多柔比星 (Milatuzumab-dox) (Actinium); Emab-SN-38 (Actinium); 伊土莫单抗 (Naptumonmab estafenatox) (Active Biotech); AFM13 (Affimed); AFM11 (Affimed); AGS-16C3F (Agensys); AGS-16M8F (Agensys); AGS-22ME (Agensys); AGS-15ME (Agensys); GS-67E (Agensys); ALXN6000 (萨玛利单抗 (samalizumab), Alexion); ALT-836 (Altor Bioscience); ALT-801 (Altor Bioscience); ALT-803 (Altor Bioscience); AMG780 (Amgen); AMG 228 (Amgen); AMG820 (Amgen); AMG172 (Amgen); AMG595 (Amgen); AMG110 (Amgen); AMG232 (阿达木单抗 (adecatumumab), Amgen); AMG211 (Amgen/MedImmune); BAY20-10112 (Amgen/Bayer); 瑞洛土单抗 (Rilotumumab) (Amgen); 戴诺素单抗 (Denosumab) (Amgen); AMP-514 (Amgen); MEDI575 (AZ/MedImmune); MEDI3617 (AZ/MedImmune); MEDI6383 (AZ/MedImmune); MEDI551 (AZ/MedImmune); 帕莫西单抗 (Moxetumomab pasudotox) (AZ/MedImmune); MEDI565 (AZ/MedImmune); MEDI0639 (AZ/MedImmune); MEDI0680 (AZ/MedImmune); MEDI562 (AZ/MedImmune); AV-380 (AVEO); AV203 (AVEO); AV299 (AVEO); BAY79-4620 (Bayer); 拉安土单抗 (Anetumab ravtansine) (Bayer); 万替珠单抗 (vantictumab) (Bayer); BAY94-9343 (Bayer); 西罗珠单抗 (Sibrotuzumab) (Boehringer Ingelheim); BI-836845 (Boehringer Ingelheim); B-701 (BioClin); BIIB015 (Biogen); 欧努珠单抗 (Biogen/Genentech); BI-505 (Bioinvent); BI-1206 (Bioinvent); TB-403 (Bioinvent); BT-062 (Biotest) BIL-010t (Biosceptre); MDX-1203 (BMS); MDX-1204 (BMS); 奈西莫单抗 (Necitumumab) (BMS); CAN-4 (Cantargia AB); CDX-011 (Celldex); CDX1401 (Celldex); CDX301 (Celldex); U3-1565 (Daiichi Sankyo); 帕曲土单抗 (patritumab) (Daiichi Sankyo); 替加土单抗 (tigatuzumab) (Daiichi Sankyo); 尼妥珠单抗 (nimotuzumab) (Daiichi Sankyo); DS-8895 (Daiichi Sankyo); DS-8873 (Daiichi Sankyo); DS-5573 (Daiichi Sankyo); MORab-004 (Eisai); MORab-009 (Eisai); MORab-003

(Eisai); MORab-066 (Eisai); LY3012207 (Eli Lilly); LY2875358 (Eli Lilly); LY2812176 (Eli Lilly); LY3012217 (Eli Lilly); LY2495655 (Eli Lilly); LY3012212 (Eli Lilly); LY3012211 (Eli Lilly); LY3009806 (Eli Lilly); 西妥木单抗 (cixutumumab) (Eli Lilly); 法拉维单抗 (Flanvotumab) (Eli Lilly); IMC-TR1 (Eli Lilly); 雷莫芦单抗 (Eli Lilly); 塔巴木单抗 (Tabalumab) (Eli Lilly); 扎诺利单抗 (Zanolimumab) (Emergent Biosolution); FG-3019 (FibroGen); FPA008 (Five Prime Therapeutics); FP-1039 (Five Prime Therapeutics); FPA144 (Five Prime Therapeutics); 卡妥索单抗 (catumaxomab) (Fresenius Biotech); IMAB362 (Ganymed); IMAB027 (Ganymed); HuMax-CD74 (Genmab); HuMax-TFADC (Genmab); GS-5745 (Gilead); GS-6624 (Gilead); OMP-21M18 (登西珠单抗 (demcizumab), GSK); 马帕木单抗 (mapatumumab) (GSK); IMGN289 (ImmunoGen); IMGN901 (ImmunoGen); IMGN853 (ImmunoGen); IMGN529 (ImmunoGen); IMMU-130 (Immunomedics); 米拉珠单抗-多柔比星 (Immunomedics); IMMU-115 (Immunomedics); IMMU-132 (Immunomedics); IMMU-106 (Immunomedics); IMMU-102 (Immunomedics); 依帕珠单抗 (Epratuzumab) (Immunomedics); 克利瓦单抗 (Clivatuzumab) (Immunomedics); IPH41 (Innate Immunotherapeutics); 达拉土单抗 (Daratumumab) (Janssen/Genmab); CNT0-95 (Intetumumab, Janssen); CNT0-328 (西妥昔单抗 (siltuximab), Janssen); KB004 (KaloBios); 莫加利单抗 (mogamulizumab) (Kyowa Hakko Kirrin); KW-2871 (依美昔单抗 (ecromeximab), Life Science); 索奈珠单抗 (Sonepcizumab) (Lpath); 马土西单抗 (Margetuximab) (Macrogenics); 恩利珠单抗 (Enoblituzumab) (Macrogenics); MGD006 (Macrogenics); MGF007 (Macrogenics); MK-0646 (达洛珠单抗 (dalotuzumab), Merck); MK-3475 (Merck); Sym004 (Symphogen/Merck Serono); DI17E6 (Merck Serono); MOR208 (Morphosys); MOR202 (Morphosys); X Mab5574 (Morphosys); BPC-1C (恩斯土单抗 (ensituximab), Precision Biologics); TAS266 (Novartis); LFA102 (Novartis); BHQ880 (Novartis/Morphosys); QGE031 (Novartis); HCD122 (卢卡木单抗 (lucatumumab), Novartis); LJM716 (Novartis); AT355 (Novartis); OMP-21M18 (登西珠单抗, OncoMed); OMP52M51 (Oncomed/GSK); OMP-59R5 (Oncomed/GSK); 万替珠单抗 (Oncomed/Bayer); CMC-544 (奥英妥珠单抗 (inotuzumab ozogamicin), Pfizer); PF-03446962 (Pfizer); PF-04856884 (Pfizer); PSMA-ADC (Progenics); REGN1400 (Regeneron); REGN910 (奈瓦库单抗 (nesvacumab), Regeneron/Sanofi); REGN421 (恩替库单抗 (enoticumab), Regeneron/Sanofi); RG7221、RG7356、RG7155、RG7444、RG7116、RG7458、RG7598、RG7599、RG7600、RG7636、RG7450、RG7593、RG7596、DCDS3410A、RG7414 (帕萨珠单抗 (parsatuzumab))、RG7160 (伊佳珠单抗 (imgatuzumab))、RG7159 (欧宾珠单抗 (obintuzumab))、RG7686、RG3638 (欧奈珠单抗 (onartuzumab))、RG7597 (Roche/Genentech); SAR307746 (Sanofi); SAR566658 (Sanofi); SAR650984 (Sanofi); SAR153192 (Sanofi); SAR3419 (Sanofi); SAR256212 (Sanofi); SGN-LIV1A (林妥珠单抗 (lintuzumab), Seattle Genetics); SGN-CD33A (Seattle Genetics); SGN-75 (马维珠单抗 (vorsetuzumab mafodotin), Seattle Genetics); SGN-19A (Seattle Genetics); SGN-CD70A (Seattle Genetics); SEA-CD40 (Seattle Genetics); 替伊莫单抗 (Spectrum); MLN0264 (Takeda); 加尼妥单抗 (ganitumab) (Takeda/Amgen); CEP-37250 (Teva); TB-403 (Thrombogenic); VB4-845 (Viventia); X Mab2512 (Xencor); X Mab5574

(Xencor); 尼妥珠单抗 (YM Biosciences); 卡路单抗 (Carlumab) (Janssen); NY-ESO TCR (Adaptimmune); MAGE-A-10TCR (Adaptimmune); CTL019 (Novartis); JCAR015 (Juno Therapeutics); KTE-C19CAR (Kite Pharma); UCART19 (Collectis); BPX-401 (Bellicum Pharmaceuticals); BPX-601 (Bellicum Pharmaceuticals); ATTCK20 (Unum Therapeutics); CAR-NKG2D (Celyad); Onyx-015 (Onyx Pharmaceuticals); H101 (Shanghai Sunwaybio); DNX-2401 (DNATRIX); VCN-01 (VCN Biosciences); Colo-Ad1 (PsiOxus Therapeutics); ProstAtak (Advantagene); Oncos-102 (Oncos Therapeutics); CG0070 (Cold Genesys); Pexa-vac (JX-594, Jennerex Biotherapeutics); GL-ONC1 (Genelux); T-VEC (Amgen); G207 (Medigene); HF10 (Takara Bio); SEPREHVIR (HSV1716, Virttu Biologics); OrienX010 (OrienGene Biotechnology); Reolysin (Oncolytics Biotech); SVV-001 (Neotropix); Cacatak (CVA21, Viralytics); Alimta (Eli Lilly)、顺铂 (cisplatin)、奥沙利铂 (oxaliplatin)、伊立替康 (irinotecan)、亚叶酸 (folinic acid)、甲氨蝶呤 (methotrexate)、环磷酰胺 (cyclophosphamide)、5-氟尿嘧啶 (5-fluorouracil)、Zykadia (Novartis)、Tafinlar (GSK)、Xalkori (Pfizer)、Iressa (AZ)、Gilotrif (Boehringer Ingelheim)、Tarceva (Astellas Pharma)、Halaven (Eisai Pharma)、Veliparib (Abbvie)、AZD9291 (AZ)、阿雷替尼 (Alectinib) (Chugai)、LDK378 (Novartis)、盖纳特皮 (Genetespib) (Synta Pharma)、Tergenpumatucel-L (NewLink Genetics)、GV1001 (Kael-GemVax)、替瓦替尼 (Tivantinib) (ArQule); Cytosan (BMS); Oncovin (Eli Lilly); 阿霉素 (Adriamycin) (Pfizer); Gemzar (Eli Lilly); Xeloda (Roche); Ixempra (BMS); Abraxane (Celgene); Trelstar (Debiopharm); Taxotere (Sanofi); Nexavar (Bayer); IMM-132 (Immunomedics); E7449 (Eisai); Thermodox (Celsion); Cometriq (Exelixis); Lonsurf (Taiho Pharmaceuticals); Camptosar (Pfizer); UFT (Taiho Pharmaceuticals); 和 TS-1 (Taiho Pharmaceuticals)。

#### [0171] 葡萄膜炎

[0172] 在其它优选实施方案中, 本发明的组合物用于治疗或预防葡萄膜炎。本发明的组合物可以降低葡萄膜炎的动物模型的发病率和疾病严重程度, 因此其可用于治疗或预防葡萄膜炎。葡萄膜炎是葡萄膜炎症且会引起视网膜组织破坏。其可以呈不同解剖形式 (前葡萄膜炎、中间葡萄膜炎、后葡萄膜炎或弥漫性葡萄膜炎) 存在且由不同但相关的病因引起, 包括全身性自身免疫性病状。IL-17 和 Th17 通路主要与葡萄膜炎相关, 因此本发明的组合物可以特别有效地预防或治疗葡萄膜炎。参考文献 [38-45] 描述葡萄膜炎患者中升高血清水平的介白素-17A, IL17A 基因变异体与全葡萄膜炎特定相关, Th17 相关的细胞因子在实验自身免疫性葡萄膜炎的发病机理中的作用, 在单相实验自身免疫性葡萄膜炎期间 Th17 细胞与调节 T 细胞之间的不平衡, 葡萄膜炎和活动性亚当-白塞病和沃格特-小柳-原田 (Vogt-Koyanagi-Harada, VKH) 病患者中 IL-17A 上调, 用苏金单抗 (secukinumab) (抗 IL-17A 抗体) 治疗非感染性葡萄膜炎, 和葡萄膜炎眼睛中的 Th17。

[0173] 在某些实施方案中, 葡萄膜炎是后葡萄膜炎。后葡萄膜炎主要存在着视网膜和脉络膜炎症, 并且本发明的组合物可以有效减少视网膜炎症和损伤。

[0174] 在某些实施方案中, 用本发明的组合物治疗减少视网膜损伤。在某些实施方案中, 本发明的组合物在葡萄膜炎治疗中用于减少或预防视网膜损伤。在某些实施方案中, 组合

物用于治疗处于视网膜损伤风险中的严重葡萄膜炎患者。在某些实施方案中,用本发明的组合物治疗减少视神经盘炎症。在某些实施方案中,本发明的组合物用于减少或预防视神经盘炎症。在某些实施方案中,用本发明的组合物治疗减少炎性细胞浸润视网膜组织。在某些实施方案中,本发明的组合物用于减少炎性细胞浸润视网膜组织。在某些实施方案中,用本发明的组合物治疗维持或改善视力。在某些实施方案中,本发明的组合物用于维持或改善视力。

[0175] 在某些实施方案中,组合物用于治疗或预防与非感染性或自身免疫性疾病,例如白塞氏病、克罗恩氏病、富克斯异色性虹膜睫状体炎(Fuchs heterochromic iridocyclitis)、肉芽肿病伴多血管炎、HLA-B27相关葡萄膜炎、幼年特发性关节炎、结节病、脊柱关节炎、交感性眼炎、小管间质性肾炎和葡萄膜炎综合征或沃格特-小柳-原田综合征相关的葡萄膜炎。IL-17A已经显示与例如白塞氏病和沃格特-小柳-原田疾病相关。

[0176] 葡萄膜炎的治疗或预防可以指例如减轻症状严重度或预防复发。

[0177] 施用模式

[0178] 优选地,本发明的组合物待施用于胃肠道,以便能够传递到肠和/或使本发明的细菌菌株部分或全部定殖肠部。一般地,虽然本发明的组合物经口施用,但其可以经直肠、鼻内或通过颊或舌下途径施用。

[0179] 在某些实施方案中,本发明的组合物可以呈泡沫、喷雾或凝胶形式施用。

[0180] 在某些实施方案中,本发明的组合物可以呈栓剂,例如直肠栓剂,例如呈可可豆油(可可脂)、合成硬脂(例如suppocire、witepsol)、甘油基-明胶、聚乙二醇或肥皂甘油组合物的形式施用。

[0181] 在某些实施方案中,本发明的组合物通过管,例如鼻饲管、口胃管、胃管、空肠造口管(J型管)、经皮内窥镜胃造口术(percutaneous endoscopic gastrostomy, PEG)或端口,例如通向胃、空肠和其它适合进入端口的胸壁端口施用于胃肠道。

[0182] 本发明的组合物可以施用一次,或其可以作为治疗方案一部分连续施用。在某些实施方案中,本发明的组合物将每日施用。

[0183] 在本发明的某些实施方案中,根据本发明的治疗伴随有患者肠微生物丛的评估。如果未实现本发明的菌株传递和/或部分或全部定殖,从而未观测到功效,那么可以重复治疗,如果传递和/或部分或全部定殖成功且观测到功效,那么可以停止治疗。

[0184] 在某些实施方案中,本发明的组合物可以施用于怀孕动物,例如哺乳动物,例如人类,以预防炎性或自身免疫性疾病在其子女中在出生前和/或出生后出现。

[0185] 本发明的组合物可以施用于经诊断为患有由IL-17或Th17通路介导的疾病或病状或已经被鉴别为处于由IL-17或Th17通路介导的疾病或病状风险中的患者。组合物也可以作为预防措施施用以预防健康患者中由IL-17或Th17通路介导的疾病或病状出现。

[0186] 本发明的组合物可以施用于已经被鉴别为具有异常肠微生物丛的患者。举例来说,患者可以具有减少或缺乏的拟杆菌属和尤其人粪拟杆菌的定殖。

[0187] 本发明的组合物可以作为食品,例如营养增补剂施用。

[0188] 一般地,本发明的组合物用于治疗人类,不过其可以用于治疗动物,包括单胃哺乳动物,例如家禽、猪、猫、犬、马或兔。本发明的组合物可用于增强动物的生长和性能。如果施用于动物,那么可以使用经口管饲法。

[0189] 组合物

[0190] 一般地,本发明的组合物包含细菌。在本发明的优选实施方案中,组合物呈冻干形式配制。举例来说,本发明的组合物可以包含含有本发明的细菌菌株的颗粒或明胶胶囊,例如硬明胶胶囊。

[0191] 优选地,本发明的组合物包含冻干细菌。细菌冻干是一种成熟的程序且相关指导可于例如参考文献[46-48]中获得。

[0192] 或者,本发明的组合物可以包含活的活性细菌培养物。

[0193] 在优选实施方案中,本发明的组合物被囊封成能够传递细菌菌株到肠。囊封保护组合物免于降解,直到通过例如用化学或物理刺激,例如压力、酶活性或物理性崩解(其可以通过pH值改变而触发)进行破裂而在目标位置传递。可以使用任何适当囊封法。示例性囊封技术包括截留在多孔基质内、附着或吸附在固体载体表面上、通过絮凝或利用交联剂而自我凝聚以及机械密封在微孔膜或微胶囊后。关于可用于制备本发明的组合物的囊封的指导可以于例如参考文献[49]和[50]中获得。

[0194] 组合物可以经口施用且可以呈片剂、胶囊或散剂形式。囊封产品是优选的,因为拟杆菌属是厌氧菌。其它成分(例如维生素C)可以作为除氧剂和益生元基质而包括以改善活体内传递和/或部分或全部定殖和存活。或者,本发明的益生组合物可以作为食品或营养产品,例如基于牛奶或乳清的发酵乳制品,或作为药品经口施用。

[0195] 组合物可以被配制为益生菌。

[0196] 本发明的组合物包括治疗有效量的本发明的细菌菌株。治疗有效量的细菌菌株足以对患者发挥有益作用。治疗有效量的细菌菌株可以足够传递到患者肠部和/或部分或全部定殖患者肠部。

[0197] 例如适合于成年人的细菌日剂量可以是约 $1 \times 10^3$ 到约 $1 \times 10^{11}$ 菌落形成单位(colony forming unit,CFU);例如约 $1 \times 10^7$ 到约 $1 \times 10^{10}$ CFU;在另一实例中,约 $1 \times 10^6$ 到约 $1 \times 10^{10}$ CFU。

[0198] 在某些实施方案中,组合物含有相对于组合物的重量,约 $1 \times 10^6$ 到约 $1 \times 10^{11}$ CFU/g,例如约 $1 \times 10^8$ 到约 $1 \times 10^{10}$ CFU/g的量的细菌菌株。剂量可以是例如1g、3g、5g和10g。

[0199] 通常,益生菌,例如本发明的组合物,任选地与至少一种适合益生元化合物组合。益生元化合物通常是不易消化的碳水化合物,例如寡糖或多糖,或糖醇,其在上部消化道中不降解或吸收。已知的益生元包括商业产品,例如菊糖和反式半乳寡糖。

[0200] 在某些实施方案中,本发明的益生菌组合物包括相对于组合物总重量,约1到约30重量%(例如5到20重量%)的量的益生元化合物。碳水化合物可以选自由以下组成的群组:果寡糖(或FOS)、短链果寡糖、菊糖、异麦芽寡糖、果胶、木寡糖(或XOS)、几丁寡糖(或COS)、 $\beta$ -葡聚糖、阿拉伯胶改性和抗性淀粉、聚葡萄糖、D-塔格糖、阿拉伯胶纤维、角豆树、燕麦和柑桔纤维。在一个方面中,益生元是短链果糖-寡糖(下文中简单起见展示为FOSs-c.c);所述FOSs-c.c是不可消化的碳水化合物,一般由甜菜糖转变获得并且包括被三个葡萄糖分子键结的蔗糖分子。

[0201] 本发明的组合物可以包含药学上可接受的赋形剂或载剂。此类适合赋形剂的实例可以见于参考文献[51]中。用于治疗用途的可接受的载剂或稀释剂是医药技术中众所周知的并且描述于例如参考文献[52]中。适合载剂的实例包括乳糖、淀粉、葡萄糖、甲基纤维素、

硬脂酸镁、甘露糖醇、山梨糖醇等等。适合稀释剂的实例包括乙醇、甘油和水。医药载剂、赋形剂或稀释剂的选择可以针对预期施用途和标准医药实践来选择。药物组合物可以包含任何适合粘合剂、润滑剂、悬浮剂、包被剂、增溶剂作为载剂、赋形剂或稀释剂或除载剂、赋形剂或稀释剂之外可以包含所述物质。适合粘合剂的实例包括淀粉、明胶、天然糖(例如葡萄糖、无水乳糖、自由流动乳糖、 $\beta$ -乳糖、玉米甜味剂)、天然和合成胶(例如阿拉伯胶、黄蓍胶或海藻酸钠)、羧甲基纤维素和聚乙二醇。适合润滑剂的实例包括油酸钠、硬脂酸钠、硬脂酸镁、苯甲酸钠、乙酸钠、氯化钠等等。防腐剂、稳定剂、染料和甚至调味剂可以提供于药物组合物中。防腐剂的实例包括苯甲酸钠、山梨酸和对羟基苯甲酸酯。也可以使用抗氧化剂和悬浮剂。

[0202] 本发明的组合物可以被配制为食品。举例来说,除本发明的治疗作用之外,食品可以提供营养益处,例如在营养增补剂中。类似地,食品可以被配制成增强本发明组合物的口味,或通过使其更类似于常见食品而非药物组合物而使得组合物食用起来更具吸引力。在某些实施方案中,本发明的组合物被配制为基于牛奶的产品。术语“基于牛奶的产品”意指具有变化脂肪含量的任何基于牛奶或乳清的液体或半固体产品。基于牛奶的产品可以是例如奶牛奶、山羊奶、绵羊奶、脱脂乳、全脂奶、无任何加工下由奶粉与乳清重组而来的牛奶或加工产品,例如酸奶酪、凝乳、凝块、酸牛奶、酸全脂奶、白脱牛奶和其它酸牛奶产品。另一重要群组包括乳制饮料,例如乳清饮料、发酵牛奶、炼乳、婴儿或婴孩牛奶;增香乳、冰淇淋;含牛奶的食品,例如甜点。

[0203] 在某些实施方案中,本发明的组合物含有单一细菌菌株或物种且不含有任何其它细菌菌株或物种。此类组合物可以仅仅包含最低限量或生物学上不相关量的其它细菌菌株或物种。此类组合物可以是基本上不含其它生物体物种的培养物。

[0204] 根据本发明使用的组合物可能需要或可能不需要上市批准。

[0205] 在一些情况下,冻干细菌菌株在施用之前复原。在一些情况下,复原是通过使用本文中描述的稀释剂。

[0206] 本发明的组合物可以包含药学上可接受的赋形剂、稀释剂或载剂。

[0207] 在某些实施方案中,本发明提供了一种药物组合物,其包含:本发明的细菌菌株;和药学上可接受的赋形剂、载剂或稀释剂;其中细菌菌株在施用于有需要的受试者时量足够治疗病症;并且其中病症选自由以下组成的群组:哮喘、过敏性哮喘、中性粒细胞性哮喘、骨关节炎、牛皮癣性关节炎、幼年特发性关节炎、视神经脊髓炎(德维克氏病)、强直性脊柱炎、脊柱关节炎、系统性红斑狼疮、乳糜泻、慢性阻塞性肺病(COPD)、癌症、乳腺癌、结肠癌、肺癌、卵巢癌、葡萄膜炎、巩膜炎、血管炎、白塞氏病、动脉粥样硬化、异位性皮炎、肺气肿、牙周炎、过敏性鼻炎和同种异体移植排斥。

[0208] 在某些实施方案中,本发明提供了药物组合物,其包含:本发明的细菌菌株;和药学上可接受的赋形剂、载剂或稀释剂;其中细菌菌株的量足够治疗或预防由IL-17或Th17通路介导的疾病或病状。在优选实施方案中,所述疾病或病状选自由以下组成的群组:类风湿性关节炎、多发性硬化、牛皮癣、炎性肠病、克罗恩氏病、溃疡性结肠炎、乳糜泻、哮喘、过敏性哮喘、中性粒细胞性哮喘、骨关节炎、牛皮癣性关节炎、幼年特发性关节炎、视神经脊髓炎(德维克氏病)、强直性脊柱炎、脊柱关节炎、系统性红斑狼疮、慢性阻塞性肺病(COPD)、癌症、乳腺癌、结肠癌、肺癌、卵巢癌、葡萄膜炎、巩膜炎、血管炎、白塞氏病、动脉粥样硬化、异



位性皮炎、肺气肿、牙周炎、过敏性鼻炎和同种异体移植排斥。

[0209] 在某些实施方案中,本发明提供以上药物组合物,其中细菌菌株的量是相对于组合物的重量每克约 $1 \times 10^3$ 到约 $1 \times 10^{11}$ 菌落形成单位。

[0210] 在某些实施方案中,本发明提供了以上药物组合物,其中组合物以1g、3g、5g或10g的剂量施用。

[0211] 在某些实施方案中,本发明提供了以上药物组合物,其中组合物通过选自由口腔、直肠、皮下、鼻、颊和舌下组成的群组的方法施用。

[0212] 在某些实施方案中,本发明提供了以上药物组合物,其包含选自由乳糖、淀粉、葡萄糖、甲基纤维素、硬脂酸镁、甘露糖醇和山梨糖醇组成的群组的载剂。

[0213] 在某些实施方案中,本发明提供了以上药物组合物,其包含选自由乙醇、甘油和水组成的群组的稀释剂。

[0214] 在某些实施方案中,本发明提供了以上药物组合物,其包含选自由以下组成的群组的赋形剂:淀粉、明胶、葡萄糖、无水乳糖、自由流动的乳糖、 $\beta$ -乳糖、玉米甜味剂、阿拉伯胶、黄蓍胶、海藻酸钠、羧甲基纤维素、聚乙二醇、油酸钠、硬脂酸钠、硬脂酸镁、苯甲酸钠、乙酸钠和氯化钠。

[0215] 在某些实施方案中,本发明提供了以上药物组合物,其进一步包含防腐剂、抗氧化剂和稳定剂中的至少一种。

[0216] 在某些实施方案中,本发明提供了以上药物组合物,其包含选自由苯甲酸钠、山梨酸和对羟基苯甲酸酯组成的群组的防腐剂。

[0217] 在某些实施方案中,本发明提供了以上药物组合物,其中所述细菌菌株是冻干的。

[0218] 在某些实施方案中,本发明提供了以上药物组合物,其中当组合物存储在密封容器中约4℃或约25℃下并且将容器置于具有50%相对湿度的气氛中时,如以菌落形成单位测量,在至少约1个月、3个月、6个月、1年、1.5年、2年、2.5年或3年时期后,至少80%细菌菌株残留。

[0219] 培养方法

[0220] 用于本发明的细菌菌株可以使用如例如参考文献[53-55]中详述的标准微生物学技术培养。

[0221] 拟杆菌属的细菌菌株可以使用例如下文概述的可以提供良好的生长和可靠性的方法来培养。此方法尤其可用于培养人粪拟杆菌物种的菌株。

[0222] 拟杆菌属和尤其人粪拟杆菌物种的细菌菌株可以通过使用液体原料接种平板(或更大的液体培养物)来培养,而不是如一般可能使用的一层冷冻原料(参见例如参考文献[56])。如果使拟杆菌属菌株的冷冻原料解冻并用作液体培养物,那么成熟菌落的建立是可靠而迅速的。

[0223] 一种适于培养拟杆菌属的细菌菌株的方法可以包括:

[0224] (a) 提供细菌菌株的冷冻原料;

[0225] (b) 使冷冻原料解冻以提供液体原料;

[0226] (c) 将液体原料加入固体或液体培养基中;以及

[0227] (d) 培育固体或液体培养基以提供细菌菌株的培养物。

[0228] 此方法尤其适用于培养人粪拟杆菌的细菌菌株。

[0229] 冷冻原料可以是冷冻甘油原液。固体或液体培养基可以是YCFA琼脂或YCFA培养基。YCFA培养基可以包括(每100ml,近似值):酪胺(1.0g)、酵母提取物(0.25g)、 $\text{NaHCO}_3$ (0.4g)、半胱氨酸(0.1g)、 $\text{K}_2\text{HPO}_4$ (0.045g)、 $\text{KH}_2\text{PO}_4$ (0.045g)、 $\text{NaCl}$ (0.09g)、 $(\text{NH}_4)_2\text{SO}_4$ (0.09g)、 $\text{MgSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O}$ (0.009g)、 $\text{CaCl}_2$ (0.009g)、刃天青(0.1mg)、氯化血红素(1mg)、生物素(1 $\mu\text{g}$ )、钴胺素(1 $\mu\text{g}$ )、对氨基苯甲酸(3 $\mu\text{g}$ )、叶酸(5 $\mu\text{g}$ )和吡哆胺(15 $\mu\text{g}$ )。

[0230] 步骤(d)中的培育可以进行至少36小时,例如48或72小时。步骤(d)中的培育可以在例如厌氧罩的厌氧环境中进行。步骤(d)中提供的培养物可以用于将细菌菌株的更大培养物传代培养。此种传代培养允许制备更大量的细菌,并且可用于以商业规模提供本发明的组合物。

[0231] 步骤(b)中的解冻可以在室温下或用手温热来进行。

[0232] 在步骤(c)中添加的液体原料的量可以在300 $\mu\text{l}$ 与5ml之间,例如500 $\mu\text{l}$ 。原料可以是20%甘油原液。

[0233] 以上方法可以用于制备药物组合物或食品,在此情况下所述方法可以包括将细菌菌株分离,任选地将细菌菌株冻干,并且将细菌菌株与一种或多种药学上可接受的赋形剂或载剂或者一种或多种食物组合的额外步骤。通过所述方法制备的此药物组合物或食品可以用于治疗或预防由IL-17或Th17通路介导的疾病或病状的方法中。

[0234] 培养拟杆菌属和尤其人粪拟杆菌物种的细菌菌株的一种示例性方法可以包括:

[0235] 1.将500 $\mu\text{l}$  20%甘油原液涂铺到YCFA琼脂中。

[0236] 2.将平板置于厌氧罩中48/72小时以产生成熟菌落。

[0237] 3.将细胞在10ml体积中培养,无论此是来自单个菌落还是1%液体传代培养物。

[0238] 4.仅仅在达到成熟菌落形态后的2/3天使用具有菌落的平板。

[0239] 用于疫苗组合物中的细菌菌株

[0240] 本发明人已经确定本发明的细菌菌株可用于治疗或预防由IL-17或Th17通路介导的疾病或病状。此可能是本发明的细菌菌株作用于宿主免疫系统的结果。因此,当作为疫苗组合物施用,本发明的组合物也可用于预防由IL-17或Th17通路介导的疾病或病状。在某些此类实施方案中,本发明的细菌菌株可以是杀死的、灭活的或减毒的。在某些此类实施方案中,组合物可以包含疫苗佐剂。在某些实施方案中,组合物用于通过注射,例如通过皮下注射施用。

[0241] 通则

[0242] 除非另外指明,否则本发明的实施将采用在本领域技能内的常规化学、生物化学、分子生物学、免疫学和药理学方法。此类技术在文献中予以充分解释。参见例如参考文献[57]和[58-64]等。

[0243] 术语“包含”涵盖“包括”以及“由……组成”,例如“包含”X的组合物可以仅仅由X组成,或可以包括其它某物,例如X+Y。

[0244] 关于数值x的术语“约”是任选的并且意指例如 $x \pm 10\%$ 。

[0245] 词语“基本上”不排除“完全”,例如“基本上不含”Y的组合物可完全不含Y。必要时,本发明的定义中可以省略词语“基本上”。

[0246] 提及两种核苷酸序列之间的序列同一性百分比意指在比对时,比较两种序列中相同的核苷酸百分比。此比对和同源性或序列同一性百分比可以使用本领域中已知的软件程

序,例如参考文献[65]的部分7.7.18中描述的软件程序确定。优选比对通过Smith-Waterman同源性搜索算法,使用仿射空位搜索(其中开放空位罚分是12且空位延伸罚分是2,BLOSUM 62矩阵)来确定。Smith-Waterman同源性搜索算法在参考文献[66]中公开。

[0247] 除非特别陈述,否则包括多个步骤的工艺或方法可以在方法开始或结束包括额外步骤,或可以包括额外插入步骤。此外,适当时步骤可以组合,省去或以替代次序进行。

[0248] 本文中描述本发明的多个实施方案。应了解每个实施方案中说明的特征都可以与其它所说明的特征进行组合以提供其它实施方案。具体来说,本文中强调为适合、典型或优选的实施方案可以彼此进行组合(除非其互斥时)。

[0249] 用于进行本发明的模式

[0250] 实施例1-细菌接种物在屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型中的功效

[0251] 概述

[0252] 向小鼠施用包含根据本发明的细菌菌株的组合物,且随后用屋尘螨(HDM)提取物激发以引起过敏性炎症反应。对HDM的炎症反应包括嗜酸性粒细胞组分和中性粒细胞组分,是由IL-17和Th17通路介导,并且是哮喘的模型。将用本发明的组合物处理的小鼠所展现的炎症反应的程度和特征与对照组相比较。发现本发明的组合物减轻炎症反应,并且减少嗜酸性粒细胞和嗜中性粒细胞募集,这表明其可用于治疗IL-17和Th17介导的病状,例如嗜酸性粒细胞增多、中性粒细胞增多和哮喘。

[0253] 菌株

[0254] 675:人粪拟杆菌

[0255] 研究设计

[0256] 组:

[0257] 1.阴性对照组。用媒介物对照物处理(经口)。

[0258] 3.用治疗性细菌接种物菌株675处理(经口)。

[0259] 7.阳性对照组。用地塞米松处理(腹膜内)。

[0260] 8.未处理的对照组。

[0261] 每组小鼠数目=5

[0262] 第-14天到第13天:每日经口施用媒介物对照物(组1)。

[0263] 第-14天到第13天:每日经口施用治疗性细菌接种物(组2-6)。

[0264] 第0天、第2天、第4天、第7天、第9天、第11天,经鼻施用含15ug HDM(屋尘螨提取物-目录号:XPB70D3A25,批号:231897,Greer Laboratories(Lenoir,NC,USA))的30ul体积的PBS(组1-8)。

[0265] 第0天、第2天、第4天、第7天、第9天、第11天,施用地塞米松(腹膜内,3mg/kg,Sigma-Aldrich,目录号D1159)(组7)。

[0266] 第14天将所有动物处死以供分析用。

[0267] 小鼠总数=40。

[0268] 终点和分析

[0269] 在第14天,通过腹膜内注射致命戊巴比妥(pentobarbital)(Streuli Pharma AG(Uznach),目录号:1170139A)将动物处死,接着立刻进行支气管肺泡灌洗(BAL)。

[0270] 将细胞与BAL(支气管肺泡灌洗)流体分离并进行细胞分类计数(200个细胞计数/

样品)。

#### [0271] 材料与amp;方法

[0272] 小鼠。从Charles River Laboratories购买7周龄的雌性BALB/c小鼠并随机分配到各个笼,每个笼都是5只小鼠(通风笼来源于Indulab AG(Gams,Switzerland),笼型:“TheSealsafeTM-IVC笼。产品号1248L)。笼标记有研究号、组号和实验开始日期。每周对小鼠进行监测并使其适应设施7天,接着开始研究(研究第-14天)。在研究第-14天,动物是8周龄。饮用水和食物可随意取用。笼中进行丰容。根据地方特许牌照号2283.1(由Service de la consommation et des affaires vétérinaires du Canton de Vaud颁予和批准)对动物进行每日护理。饮用水和食物可随意取用且每日补充一次。笼中进行丰容。观测到如由瑞士官方机构根据联邦兽医办公室(Federal Veterinary Office,FVO)关于实验动物的饲养管理、遗传修饰动物的产生和动物实验方法的条例455.163所给出的动物福利规定。

[0273] 细菌接种物的培养。在无菌工作站内,通过在手套手中进行温热来使低温细菌小瓶解冻并将约0.7ml内含物注射到含有8ml厌氧YCFA的亨盖特管(Hungate tube)(目录号1020471,Glasgerätebau Ochs(Bovenden-Lenglern,Germany))中。通常每个菌株准备两个管。接着将亨盖特管在37℃下培育(静止)长达24-26小时(菌株675)。

[0274] 因为发现接种物菌株675的细菌OD易变,所以每天进行3种不同的培养方法。2个小瓶如上所述进行培养,并且第三个样品利用400ul来自前一天的培养物的等分试样进行接种来培养。在第4处理日,由于从冷冻原料生长得不好,所以利用后一方法。值得注意地,此方法使细菌菌株675一直稳固地生长。

[0275] 媒介物对照物的培养。将含有8ml厌氧YCFA的亨盖特管在37℃下培育(静止)16小时。

[0276] 细菌接种物或媒介物对照物的施用。每天根据经口管饲法施用400ul所培养的细菌接种物或媒介物对照物。

[0277] 鼻内致敏。通过腹膜内注射每公斤9.75mg xylasol和48.75mg ketasol(Dr.E.Graeub AG,Bern,Switzerland)将小鼠麻醉且每个鼻子施用含15ug HDM(目录号:XPB70D3A25,批号:231897,Greer Laboratories(Lenoir,NC,USA))的30ul体积的PBS。

[0278] 阳性对照化合物地塞米松的制备和施用。使地塞米松21-磷酸二钠盐(Sigma-Aldrich,目录号D1159,货号N°SLBD.1030V)溶解在H<sub>2</sub>O中,并在以上研究方案中所指示的天数以3mg/kg的剂量于200ul体积中经口施用于动物。

[0279] 终末程序。在第14天,通过腹膜内注射致命戊巴比妥(Streuli PharmaAG(Uznach),目录号:1170139A)将动物处死,接着在500ul生理食盐水中立刻进行支气管肺泡灌洗(BAL)。

[0280] 对细胞浸润到BAL中的测量。将细胞与BAL流体分离并基于标准形态学和细胞化学标准进行细胞分类计数。

[0281] 图表和统计分析。所有图表都用Graphpad Prism第6版产生并应用单向ANOVA。来自统计分析的结果具备个别数据表。误差线表示平均标准误差(Standard Error of the Mean,SEM)。

#### [0282] 结果和分析

[0283] 实验结果示于图1-9中。

[0284] 在用细菌或媒介物处理的小鼠中未注意到发病或死亡。两种对照物媒介物处理(阴性对照物)和地塞米松处理(阳性对照物)如所预期般起作用,其中在地塞米松处理后注意到减弱的嗜酸性粒细胞增多和中性粒细胞增多。

[0285] 此实验的最重要的结果展现在图6和7中,图6和7报告在用HDM激发后在支气管灌洗中检测到的嗜中性粒细胞的总数和百分比。相对于仅仅媒介物的对照物,菌株675减少BAL中总嗜中性粒细胞和嗜中性粒细胞的比例。

[0286] 实施例2-细菌接种物在严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型中的功效

[0287] 概述

[0288] 向小鼠施用包含根据本发明的细菌菌株的组合物且随后通过皮下施用屋尘螨(HDM)提取物来致敏,并且通过鼻内施用HDM来激发,以便模拟严重中性粒细胞性哮喘的炎性反应。将用本发明的组合物处理的小鼠所展现的炎性反应的程度和特征与对照组相比较。发现本发明的组合物减轻炎性反应,并且尤其减少嗜中性粒细胞的募集,其方式与包括施用抗IL-17抗体的阳性对照物相当。因此,数据表明本发明的组合物可用于治疗IL-17和Th17介导的病状,例如中性粒细胞增多和哮喘。

[0289] 菌株

[0290] 675:人粪拟杆菌

[0291] 研究设计

[0292] 组:

[0293] 1. 阴性对照组。用媒介物对照物处理(经口)。

[0294] 3. 用治疗性细菌接种物菌株675处理(经口)。

[0295] 7. 阳性对照组。用抗IL-17处理(腹膜内)。

[0296] 8. 未处理的对照组。

[0297] 9: 健康小鼠(基线)。

[0298] 每组小鼠数目(组1-8)=5

[0299] 第-14天到第17天:每日经口施用媒介物对照物(组1)。

[0300] 第-14天到第17天:每日经口施用治疗性细菌接种物(组2-6)。

[0301] 第0天:用含HDM的CFA致敏(皮下)(组1-8)。

[0302] 第7天:用含HDM的CFA致敏(皮下)(组1-8)。

[0303] 第13天、第15天、第17天:经腹膜内施用抗IL-17中和抗体(组7)。

[0304] 第14天、第15天、第16天、第17天:经鼻用含HDM的30u1 PBS激发(组1-8)。

[0305] 第18天:将所有动物处死以供分析。

[0306] 终点和分析:

[0307] 在第14天,通过腹膜内注射致命戊巴比妥(Streuli Pharma AG(Uznach),目录号:1170139A)将动物处死,接着立刻进行支气管肺泡灌洗(BAL)。将细胞与BAL流体分离并进行细胞分类计数(200个细胞计数/样品)。

[0308] 材料与方法

[0309] 小鼠。从Charles River Laboratories购买7周龄的雌性C57BL/6小鼠并随机分配到各个笼,每个笼都是5只小鼠(通风笼来源于Indulab AG(Gams,Switzerland),笼型:“The Sealsafe™-IVC笼。产品号1248L)。笼标记有研究号、组号和实验开始日期。每周对小鼠进

行监测且使其适应设施7天,接着开始研究(研究第-14天)。在研究第-14天,动物是8周龄。饮用水和食物可随意取用。笼中进行丰容。根据地方特许牌照号2283.1(由Service de la consommation et des affaires vétérinaires du Canton de Vaud颁予和批准)对动物进行每日护理。饮用水和食物可随意取用且每日补充一次。笼中进行丰容。观测到如瑞士官方机构根据联邦兽医办公室(FVO)关于实验动物的饲养管理、遗传修饰动物的产生和动物实验方法的条例455.163所给出的动物福利规定。

[0310] 细菌接种物的培养。在无菌工作站内,通过在手套手中进行温热来使低温细菌小瓶解冻且将约0.7ml内含物注射到含有8ml厌氧YCFA的亨盖特管(目录号1020471, **Glasgerätebau** Ochs (Bovenden-Lenglern, Germany))中。通常每个菌株准备两个管。接着将亨盖特管在37℃下培育(静止)长达24-26小时(菌株675)。

[0311] 因为接种物菌株675的细菌OD易变,所以每天进行3种不同的培养方法。2个小瓶如上所述进行培养,并且第三个样品利用400ul来自前一天的培养物的等分试样进行接种来培养。在第4处理日,由于从冷冻原料生长得不好,所以利用后一方法。值得注意地,此方法使细菌菌株675一直稳固地生长。

[0312] 媒介物对照物的培养。将含有8ml厌氧YCFA的亨盖特管在37℃下培育(静止)16小时。

[0313] 细菌接种物或媒介物对照物的施用。每天根据经口管饲法施用400ul所培养的细菌接种物或媒介物对照物。

[0314] HDM致敏。使PBS中50μg HDM(目录号:XPB70D3A25,批号:231897, Greer Laboratories (Lenoir, NC, USA))在等体积的完全弗氏佐剂(complete Freund's adjuvant, CFA Chondrex Inc. (Washington, USA))中乳化,并且在两周内在相对的腰窝上以200μl体积皮下施用两次。进行第二次免疫接种一周后,通过腹膜内注射每公斤9.75mg xylasol和48.75mg ketasol (Dr. E. Graeub AG, Bern, Switzerland)将小鼠麻醉,接着连续4日,以含15μg HDM的30ul体积的PBS给与鼻内激发。在最终激发后的一天进行分析。

[0315] 阳性对照化合物抗小鼠IL-17抗体的制备和施用。抗IL-17中和抗体来源于Bio X Cell且存储在4℃下(克隆17F3, 目录号BE0173, Bio X Cell),且在以上研究方案中所指示的天数以12.5mg/kg的剂量经腹膜内施用。

[0316] 终末程序。在第18天,通过腹膜内注射致命戊巴比妥(Streuli Pharma AG (Uznach), 目录号:1170139A)处死动物,接着在500ul生理食盐水中立刻进行支气管肺泡灌洗(BAL)。

[0317] 对细胞浸润到BAL中的测量。将细胞与BAL流体分离并基于标准形态学和细胞化学标准进行细胞分类计数。

[0318] 图表和统计分析。所有图表都用Graphpad Prism第6版产生并应用单向ANOVA。来自统计分析的结果具备个别数据表。误差线表示平均标准误差(SEM)。

[0319] 结果和分析

[0320] 实验结果示于图10-18中。

[0321] 在用细菌或媒介物处理的小鼠中未注意到发病或死亡。如图15和16中所示,菌株675展示强烈的作用,以及相对于阴性对照物,总嗜中性粒细胞数减少。另外,如图11和12中所示,相对于对照物,菌株675减少嗜酸性粒细胞数。

[0322] 实施例3-细菌接种物治疗II型胶原蛋白诱发的关节炎小鼠模型中的关节炎的功  
效

[0323] 材料与方法

[0324] 菌株

[0325] 675:人粪拟杆菌

[0326] 细菌培养物

[0327] 根据以下生长方案,使细菌培养物在厌氧工作站 (Don Whitley Scientific) 中生长以供施用。

[0328] -周一/周三/周五:将甘油原液转移到冰并且将YCFA平板从甘油原液划线。如下使用平板,最多3天。

[0329] -每天PM:从平板培养物挑选每个菌株的单个菌落,转移到8ml含有YCFA的亨盖特管,过夜 (ON1)

[0330] -AM:将80ul (1%) ON1传代培养到新鲜8ml管 (DC1)。使用ON1培养物用于AM经口管饲法。

[0331] PM:使用DC1培养物用于PM经口管饲法。

[0332] 使用甘油原液来使细菌菌株#675生长。

[0333] 甘油原液存储在-80℃下。使甘油原液在室温下解冻且在YCFA平板上划线,每周进行三次。每次使用新的甘油等分试样。使细菌在给定平板上生长长达72小时。

[0334] 每天制备待施用于动物的溶液两次,在上午 (AM) 和下午 (PM) 处理之间有八小时时间间隔。从划线的平板挑选菌落,并且转移到含有YCFA培养基的管中。使细菌菌株#675生长16小时,接着AM施用。细菌以1%传代培养到YCFA培养基中进行PM施用。在上午和下午处理制备后记录每个菌株的OD值。

[0335] II型胶原蛋白诱发的关节炎小鼠模型

[0336] 将成年的雄性DBA/1小鼠随机分配到实验组并使其适应两周。在第0天,通过皮下注射100微升含有100微克II型胶原蛋白 (CII) 于补充有4mg/ml结核分枝杆菌 (*Mycobacterium tuberculosis*) H37Ra的不完全弗氏佐剂中的乳液来施用于动物。在第21天,通过皮下注射含有100μg II型胶原蛋白于不完全弗氏佐剂中的加强乳液来施用于动物。

[0337] 根据以下施用时间表给与处理。从第-14天直到第45天实验结束,将每周动物称重三次。从第21天直到实验结束,每周针对关节炎的临床征象,包括后爪和前爪、桡腕(腕)关节和胫跗(踝)关节的肿胀对动物进行三次评分。

[0338] 在第45天,对小鼠进行淘汰并获取终末血液样品以供细胞因子分析用。

[0339] 在第-14天、第0天和第45天,收集粪便样品以供微生物分析用,立刻进行速冻且存储在-80℃下。

[0340] 胶原蛋白诱发的关节炎 (CIA) 小鼠模型是公认的类风湿性关节炎小鼠模型[67]。用CII免疫接种引起包括类风湿性关节炎的若干重要病理学特征,包括滑膜增生、单核细胞浸润和软骨退变的发病机理。重要地,CIA的发展是由Th17细胞,通过分泌IL-17A<sup>°</sup>来介导[68]。潜伏在关节炎模型下的免疫反应通过使用补充有结核分枝杆菌的弗氏佐剂来增强。

[0341] 在第21天,从每个组中的三只卫星动物收集脾。将细胞在II型胶原蛋白存在或不

存在下培养72小时。通过Luminex对培养物上清液中和终末血清中的包括TNF- $\alpha$ 、IL-6、IFN- $\gamma$ 、IL-4、IL-10和IL-17在内的细胞因子进行定量。使用氘化胸腺嘧啶掺入法定量细胞增殖。

[0342] 处理组和剂量

[0343] 所有组n=15 (主要研究组n=12且卫星组n=3)。

[0344] 生物治疗剂所用的媒介物是酵母提取物-酪胺-脂肪酸 (YCFA) 培养基。

		组	剂量	施用 途径	方案	疾病诱发
[0345]	1	媒介物	5 ml/kg	PO	BID: 第-14 天*-结束	第0 天: 胶原 蛋白/CFA, 一 次, SC 第21 天: 胶 原蛋白/IFA, 一次, SC
	4	生物治疗剂 #675	5 ml/kg			

[0346] PO:经口管饲法,SC:皮下注射,BID:一天两次,CFA:完全弗氏佐剂。\*除了组4,它是从第0天开始处理。

[0347] 体重

[0348] 从第-14天直到实验结束,每周将动物称重三次。将数据绘图 (平均值 $\pm$ SEM)。

[0349] 非特异性临床观测结果

[0350] 从第-14天直到实验结束,每天检查动物的非特异性临床征象,包括姿势异常(弓背)、异常皮毛情况(竖毛)和异常活动水平(活动减少或增加)。

[0351] 临床观测结果

[0352] 从第21天直到第45天实验结束,每周针对关节炎的临床征象,包括后爪和前爪、桡腕(腕)关节和胫跗(踝)关节的肿胀对动物进行三次评分。使用以下量表对每肢进行评分:(0)正常,(1)轻微肿胀,(2)轻度肿胀,(3)中度肿胀和(4)重度肿胀。通过将每肢评分相加来计算临床评分。动物的最大可能临床评分是(16)。两个连续时刻的评分等于(12)的动物和任一时刻评分超过(12)的动物被淘汰。将数据绘图 (平均值 $\pm$ SEM)。

[0353] 细胞增殖分析

[0354] 第21天,每组挑选三只卫星动物且将脾解剖出。将脾细胞在II型胶原蛋白存在或不存在下培养72小时。在72小时后,在氘化胸腺嘧啶存在下对细胞进行脉冲一夜。通过测量胸苷掺入来定量细胞增殖。将数据绘图 (平均值 $\pm$ SEM)。获取上清液并测试关键细胞因子的存在。

[0355] 细胞因子分析

[0356] 测试来自脾细胞培养物的终末上清液以通过Luminex对TNF- $\alpha$ 、IL-6、IFN- $\gamma$ 、IL-4、IL-10和IL-17进行定量。将数据绘图 (平均值 $\pm$ SEM)。

[0357] 微生物分析

[0358] 在第-14天、第0天和第45天,从每只动物收集粪便样品,立刻进行速冻且存储在-80℃下。将盲肠(包括内含物)立刻速冻且存储在-80℃下。每天通过涂铺细菌进行细菌鉴别



测试。

[0359] 组织病理学

[0360] 在实验结束时,将后爪存储在组织固定剂中。将样品转移到脱钙液中。将组织样品加工,切片,并用苏木精与伊红染色。由对实验设计不知情的合格组织病理学家针对关节炎征象,包括炎症、关节软骨损伤和下层干骺端骨骼损伤对切片进行评分。使用详述的评分系统(见下文)。将数据绘图(平均值±SEM)。提供原始数据和分析数据以及代表图。

[0361] 表1:组织病理学评分系统

级别		描述
炎症		
[0362]	0	正常关节
	1	轻度滑膜增生, 具有以嗜中性粒细胞为主的炎症。关节间隙中存在少量的嗜中性粒细胞和巨噬细胞。
	2	具有涉及嗜中性粒细胞与巨噬细胞两者的中度到显著炎症的滑膜增生。关节间隙中存在嗜中性粒细胞和巨噬细胞; 可能存在一些坏死组织碎片。
	3	具有涉及嗜中性粒细胞与巨噬细胞两者的显著炎症的滑膜增生。丧失滑膜细胞内层。炎症可以从滑膜延伸到包括肌肉在内的周围组织。关节间隙中存在大量的嗜中性粒细胞和巨噬细胞, 以及显著的坏死组织碎片。
关节软骨损伤		
[0363]	0	正常关节
	1	关节软骨仅仅显示轻度退行性改变。周边可能存在早期血管翳形成。
	2	关节软骨显示中度退行性改变和病灶性丧失。病灶上存在血管翳形成。
	3	关节软骨显著破坏和丧失, 大范围形成血管翳。
下层干骺端骨骼损伤		
[0364]	0	正常关节
	1	下层干骺端骨骼无变化
	2	可能是干骺端骨骼的病灶性坏死或纤维化。
	3	干骺端骨骼破坏或塌缩。大范围的炎症、坏死或纤维化, 延伸到干骺端的髓腔。

[0364] 结果和分析

[0365] 存活和非特异性临床观测结果

[0366] 一些动物在研究按计划结束之前因关节炎的临床征象的严重度或因非特异性临床观测结果的严重度而被淘汰。

[0367] 组1中的1只动物被淘汰(媒介物处理,动物从供应者处到达后腿断了)。

[0368] 11只动物因关节炎的临床征象的严重度而被淘汰:组1中的5只动物(媒介物处理)和组4中的6只动物(生物治疗剂#675处理)。

[0369] 5只动物因包括姿势异常(弓背)、异常皮毛情况(竖毛)、异常活动水平(活动减少)在内的非特异性临床征象的严重度而淘汰:组1中3只动物(媒介物处理)和组4中2只动物(生物治疗剂#675处理)。

[0370] 体重

[0371] 从第-14天直到第0天,记录体重数据,且表示为初始(第-14天)体重的百分比,通过双向ANOVA,接着邓尼特事后检验(Dunnett's post-test)进行分析,以与第-14天进行多重比较,接着与媒介物处理组进行多重比较。数据呈现于图19中。来自在实验按计划结束之前被淘汰的动物的数据被排除在分析之外。

[0372] 当与第-14天比较时,在媒介物处理组中,在第-9天和第-7天,通过经口管饲法每天施用两次诱发显著的体重损失。

[0373] 从第-11天直到第-1天,组4(未处理,直到第0天,接着生物治疗剂#675处理)体重显著高于媒介物处理组中( $p < 0.0001$ ,除了第-4天,其中 $p < 0.05$ )。

[0374] 在生物治疗剂处理组中在第-14天与第-1天之间测量的体重未与在任何给定天在媒介物处理组中测量的体重不同。

[0375] 从第0天直到第28天,记录体重数据,且表示为初始(第0天)体重的百分比,通过双向ANOVA,接着邓尼特事后检验进行分析,以与媒介物组中的第0天进行多重比较,接着与媒介物处理组进行多重比较。数据呈现于图20中。来自在实验按计划结束之前被淘汰的动物和来自卫星动物的数据被排除在分析之外。第28天、第35天和第42天数据通过单向ANOVA,接着邓尼特事后检验进行进一步分析,以与媒介物处理组进行多重比较。

[0376] 当与媒介物处理组中的第0天比较时,在第26天和第28天关节炎的临床征象的发作与显著体重损失有关( $p < 0.0001$ )。

[0377] 当与媒介物处理组比较时,在第3天、第5天、第10天( $p < 0.05$ )和第26天( $p < 0.001$ )体重显著高于组4(生物治疗剂#675处理)。

[0378] 当通过单向ANOVA分析数据时,当与媒介物处理组比较时,在第28天体重显著高于组4(生物治疗剂#675处理)( $p < 0.01$ )。在第35天或第42天实验组之间的差异不显著。

[0379] 临床观测结果

[0380] 通过双向ANOVA,接着邓尼特事后检验来分析临床评分数据,以在媒介物处理组中的各天之间进行多重比较,接着在实验组与媒介物处理组之间每天进行多重比较。数据呈现于图21中。从在实验结束之前被淘汰的动物记录的数据被排除在分析之外。当动物因关节炎的临床征象的严重度而被淘汰时,后面天数报告最后记录的评分且用于统计分析中。

[0381] 当与第21天比较时,从第28天直到第45天,在媒介物处理组中观测到临床评分显著增加( $p < 0.0001$ )。

[0382] 当与媒介物处理组比较时,生物治疗剂#675未降低临床评分。当与其它实验组比较时,此组中的动物在不同的时间进行免疫接种,此可以解释所观测到的较高临床评分。

[0383] 细胞增殖分析

[0384] 为了证实所述测定,将脾细胞在作为阳性对照刺激物的可溶性抗CD3和抗CD28(抗CD3/CD28)存在下培养以证实细胞的增殖潜能。

[0385] 在所有实验组中都看到对抗CD3/CD28的强烈增殖反应,表明细胞健康、有活力且能够对活化信号作出反应。

[0386] 为了测试在II型胶原蛋白(CII)存在下的增殖反应,将脾细胞在50 $\mu$ g/ml CII存在下培养。通过双向ANOVA,接着斯达克事后检验(Sydak's post-test)来分析对CII的脾细胞增殖反应,以在未刺激与CII刺激的脾细胞之间进行多重比较,且通过单向ANOVA,接着邓尼特事后检验进行分析,以将不同实验组与媒介物处理组中的CII刺激的反应进行比较。数据呈现于图22中。

[0387] 当与媒介物处理组中的未刺激脾细胞比较时,CII诱发<sup>3</sup>H-胸苷掺入(cpm)极其显著的增加( $p < 0.0001$ )。

[0388] 在不同天建立用生物治疗剂#675处理的组的脾细胞增殖,因此不与媒介物处理组进行比较,尽管观测到明显的减少。

[0389] 组织培养上清液中的细胞因子水平

[0390] 在来源于抗CD3/CD28刺激的培养物的组织培养上清液中,通过luminex分析来测量每种细胞因子的水平。这些表明所有测量的细胞因子具有稳固的反应(媒介物组中的平均水平如下:IL-4=6,406pg/ml;IL-6=306pg/ml;IL-10=10,987pg/ml;IL-17A=11,447pg/ml;IFN- $\gamma$ =15,581pg/ml;TNF- $\alpha$ =76pg/ml)。

[0391] 以下部分概述了从II型胶原蛋白刺激的培养物获得的数据。在适用时,先后使用双向ANOVA和斯达克事后检验对未刺激和CII刺激的脾细胞的上清液中的细胞因子水平之间的差异进行统计分析,以进行多重比较,而先后使用单向ANOVA和邓尼特事后检验来比较生物治疗剂处理组与媒介物处理组中的CII刺激的反应。在两种情况下所述组之间的细胞因子水平无显著差异。此可能归因于使用的样本尺寸小( $n=3$ )。

[0392] 为了更精确地呈现细胞因子的数据分布与数据的大体散布,此作呈散布图呈现。

[0393] 在用CII刺激后的组织培养上清液中IL-4的组平均值 $< 5$ pg/ml。这些不视为生物学上显著的且这里不包括这些。用胶原蛋白刺激后的组织培养上清液中TNF- $\alpha$ 的组平均值低于定量限度。

[0394] 上清液的IFN- $\gamma$ 水平(图23)

[0395] IFN- $\gamma$ 与IL-17一起是CIA模型中驱动疾病的主要细胞因子。图23中的散布图显示CII刺激后的IFN- $\gamma$ 水平,其中与生物治疗剂比较,媒介物处理组的组中位数更高(参见图27)。

[0396] 上清液的IL-17A水平(图24)

[0397] 在媒介物处理组的CII刺激的培养物中IL-17A水平是50pg/ml。与媒介物处理组比较,在生物治疗剂组中此细胞因子的水平似乎较低(参见图27)。

[0398] 上清液的IL-10水平(图25)

[0399] 媒介物处理组中CII刺激和培养基对照培养物的IL-10水平分别是13pg/ml和2.1pg/ml。可预期媒介物处理组的IL-10(它是消炎细胞因子)水平较高,因为炎症和促炎性细胞因子诱发可以伴随有消炎反馈机制。

[0400] 上清液的IL-6水平(图26)

[0401] 在抗CII培养物中例如IL-6和TNF- $\alpha$ 等炎性细胞因子通常产生水平不高。然而,其水平可能由于免疫调节而改变。CII刺激的培养物中IL-6水平适中,达到10pg/ml。虽然高于

培养基对照培养物,但这些差异太小,以致于无法提供进行统计分析的基本原理。

[0402] 组4中的组织培养上清液-生物治疗剂#675(图27)

[0403] 在不同天建立此组的脾细胞培养物,因此与媒介物处理组分开。虽然直接比较可能不适当,但似乎用生物治疗剂#675处理有效降低IFN- $\gamma$ 、IL-17A和IL-6水平。

[0404] 微生物分析

[0405] 通过使用光谱仪测量600nm下的光密度来证实细菌生长。通过比较划线平板图像与参考图像,证实细菌身份。

[0406] 在改良的细菌制备方法后,如测量的高OD值所指示,从第-2天和第-3天(除了菌株#675是从第0天开始)施用一致高剂量的细菌菌株。

[0407] 在第-14天、第0天和终止时收集粪便样品并进行速冻。

[0408] 组织病理学

[0409] 组织病理学结果示于图66-71中。如针对此模型所预期的,根据关节炎存在/不存在或存在的改变严重度,观测个体内和个体间的变化性。

[0410] 病理性质如针对此模型所预期的,滑膜和滑液囊大范围的混合型慢性-活动性炎症,延伸到涉及关节周围的软组织(肌肉、脂肪组织、皮肤胶原蛋白)。在最严重受影响的关节中,存在关节软骨退化和丧失,具有关节内碎片和炎症以及关节和骨结构因纤维化和炎症而被破坏。

[0411] 组织病理学改变的发生率是:媒介物-80%(16/20);生物治疗剂#675-83%(20/24)。生物治疗剂#675有效减少在后肢关节中观测到的组织病理学损伤并且降低关节炎评分、软骨损伤评分、骨损伤评分和总组织病理学评分(参见图70),尽管未能与媒介物组进行统计学比较。

[0412] 概述

[0413] 如在DBA/1小鼠中的此种关节炎模型中所预期,从II型胶原蛋白第一次施用后的第28天观测到临床评分增加。生物治疗剂#675显示在此种模型中有效治疗关节炎。当与媒介物处理组比较时,用生物治疗剂#675处理的动物在不同的时间进行免疫接种,此可以解释所观测到的较高临床评分。然而,如组织病理学分析中所证明,生物治疗剂#675有效减少关节中的病理性疾病。

[0414] 在来自所有实验组的脾细胞培养物中都看到对II型胶原蛋白的记忆性增殖反应。未对生物治疗剂#675的培养物进行统计,因为这些培养物是在不同的时间建立,但是观测到相对于对照物,胶原蛋白特异性反应减少。

[0415] 大部分所测试的T细胞细胞因子展示在媒介物处理组中II型胶原蛋白刺激的培养基与培养基对照之间可检测的增加。这些增加在生物治疗剂处理组中不是那么明显。这广泛地证明了上述的对II型胶原蛋白的记忆性增殖反应。

[0416] 有证据证明Th1/Th17轴受到抑制,Th1/Th17轴是此种模型和人类RA中的病原性反应。降低的细胞因子水平与减少的增殖的相关性暗示免疫调节。没有证据证明此调节是由Th2相关的IL-4水平增加或免疫调节细胞因子IL-10的增加引起。

[0417] 实施例4-对细菌接种物在屋尘螨诱发的哮喘的小鼠模型中的作用的进一步分析

[0418] 对在实施例1中测试的小鼠进行进一步分析以进一步表征本发明的组合物对过敏性哮喘炎性反应的作用。

[0419] 材料与方法

[0420] 在第14天抽血和制备血清。通过心脏穿刺来收集动物的血液样品。通过在14000g下离心5分钟将血清从血液样品分离,并存储在-20℃下。

[0421] 在第14天摘取器官。将左肺叶收集在福尔马林中以供后续组织学分析用。收集右肺叶(所有剩余肺叶)和去除血清以进行速冻和供后续分析用。将剩余BAL流体速冻以供后续分析用。

[0422] 在血清和BAL流体中抗体水平的测量

[0423] 通过ELISA测定,在BAL和血清中测量总IgE和屋尘螨(HDM)特异性IgG1抗体产生。

[0424] 肺分离和组织学分析

[0425] 将左肺叶固定在福尔马林中,接着嵌入石蜡中,切片,且用苏木精和伊红和PAS染色。如下采用盲法进行后续组织学评分:针对炎症(支气管周浸润和血管周浸润)和粘液产生,对每个样品的5个随机视野进行评分。用以下分级系统对炎性浸润进行评分:

[0426] 0-正常

[0427] 1-轻度炎性浸润

[0428] 2-中度炎性浸润

[0429] 3-显著炎性浸润

[0430] 4-严重的炎性浸润

[0431] 5-非常严重的炎性浸润

[0432] 在每个视野中,气道以尺寸测量且粘液细胞数以um定量。

[0433] 在肺组织中炎症介质的测量

[0434] 将被分离用于定量炎症介质的右肺叶(所有剩余肺叶)进行速冻,以供随后通过市售多重测定(Merck-Millipore)测量CCL11、IFN- $\gamma$ 、IL-1 $\alpha$ 、IL-1 $\beta$ 、IL-4、IL-5、IL-9、IL-17A、CXCL1、CCL3、CXCL2和CCL5。根据制造商的说明书进行分析。

[0435] 结果和分析

[0436] 实验结果示于图28-46中。

[0437] 对用菌株675处理的小鼠的肺组织中的细胞浸润物的分析显示平均炎症评分明显和统计上显著的减少(参见图32和34),证实了实施例1中描述的发现。

[0438] 对BAL流体和血清中的抗体水平进行分析(参见图28-31)。未观测到细菌处理对血清抗体水平有明确的作用。此可能反映出实验失败,因为每一处理中的数据散布和误差线均较大,并且阳性和阴性对照物似乎并未如所预期的那样起作用。也可能基线血清抗体水平掩盖了任何改变。

[0439] 类似地,未观测到细菌处理对肺组织中的细胞因子水平有明确的作用(参见图36-46)。此可能再次反映出实验失败,因为每一处理中的数据散布和误差线均较大,并且阳性和阴性对照物似乎并未如预期的那样起作用。还有可能是所涉及的作用机制影响早期细胞因子反应,所述细胞因子反应在最终HDM气道激发后第4天再也检测不到。归因于所检测水平的可变性,当解释当前研究中细胞因子数据时应谨慎一些。这种可变性在某种程度上可以由以下事实来解释:分离肺组织来进行不同分析,且归因于炎症的斑块状分布,因此一个肺叶可能不具充分代表性或可能与其它小鼠中的相同肺叶相当。

[0440] 实施例5-对细菌接种物在严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型中的作用的进一步

分析

[0441] 对在实施例2中测试的小鼠进行进一步分析以进一步表征本发明的组合物对与重症哮喘相关的中性粒细胞性反应的作用。

[0442] 材料与方法

[0443] 在第18天摘取器官。将左肺叶收集在福尔马林中以供后续组织学分析用。收集右肺叶(所有剩余肺叶)和去除血清以进行速冻和供后续分析用。将剩余BAL流体速冻以供后续分析用。

[0444] 在肺组织中炎症介质的测量(后续分析)。将被分离用于定量炎症介质的右肺叶(所有剩余肺叶)速冻,以便随后通过市售多重测定(Merck-Millipore)测量IFN- $\gamma$ 、IL-1 $\alpha$ 、IL-1 $\beta$ 、CXCL1、CCL3、CXCL2、CCL5、IL-17A、TNF- $\alpha$ 、IL-17F、IL-23和IL-33。根据制造商的说明书进行分析。

[0445] 在血清和BAL流体中抗体水平的测量(后续分析)。通过ELISA测定,在BAL和血清中测量屋尘螨(HDM)特异性IgG1和IgG2a抗体产生。

[0446] 肺分离和组织学分析(后续分析)。将左肺叶固定在福尔马林中,接着嵌入石蜡中,切片,且用苏木精和伊红和PAS染色。如下采用盲法进行后续组织学评分:针对炎症(支气管周浸润和血管周浸润)和粘液产生,对每个样品的5个随机视野进行评分。用以下分级系统对炎性浸润进行评分:

[0447] 0-正常

[0448] 1-轻度炎性浸润

[0449] 2-中度炎性浸润

[0450] 3-显著炎性浸润

[0451] 4-严重的炎性浸润

[0452] 5-非常严重的炎性浸润

[0453] 结果和分析

[0454] 实验结果示于图47-64中。

[0455] 对抗体水平的进一步分析揭露了细菌菌株675的功效还反映在BAL流体和血清中HDM特异性IgG1水平的降低上(参见图47和49)。无法得出关于对IgG2a水平的作用的确定的结论。总地来说,来自抗体分析的数据表明降低与总体上减少的炎性反应相关,此与对抗体同型转换的选择性作用相反。

[0456] 组织学分析证明来自BAL流体的细胞分类计数,显示用菌株675处理的小鼠中细胞浸润减少(参见图51-53)。

[0457] 关于细胞因子水平,如在实施例4中,每一处理中的数据散布和误差线均较大,且阳性和阴性对照物似乎并未必定如所预期的那样起作用。还有可能是作用机制涉及影响早期细胞因子反应,所述细胞因子反应在最终HDM气道激发后第4天再也检测不到。归因于所检测水平的可变性,当解释当前研究中的细胞因子数据时应谨慎一些。这种可变性在某种程度上可以由以下事实来解释:分离肺组织来进行不同分析,且归因于炎症的斑块状分布,因此一个肺叶可能不具充分代表性或可能与其它小鼠中的相同肺叶相当。尽管有这种可变性,但仍显示菌株675对细胞因子水平有明确的消炎作用,且阳性对照物抗IL-17抗体大体如预期般起作用。

[0458] 在以上说明下,图56、58、59、61和63中的数据表明用本发明的细菌菌株处理可以实现IL-1b、IFN  $\gamma$ 、RANTES、MIP-1a和KC(人类IL-8的小鼠直系同源物)水平的降低,此可以指示与对基质或先天免疫细胞的趋化因子释放(和因此对细胞募集)的影响相关的作用机制。这些细胞因子是Th17通路的一部分。将此数据集联系在一起,可以得出以下明确的结论:在这种严重中性粒细胞性哮喘的小鼠模型中菌株675高度有效地保护小鼠避免炎症。

[0459] 实施例6-细菌接种物在多发性硬化的小鼠模型中的功效

[0460] 概述

[0461] 向小鼠施用包含根据本发明的细菌菌株的组合物且随后用髓磷脂少突神经胶质细胞糖蛋白将小鼠免疫接种以诱发实验自身免疫性脑脊髓炎(EAE)。EAE是最常用的人类多发性硬化实验模型。发现本发明的组合物对发病率和疾病严重度具有显著作用。

[0462] 菌株

[0463] 675:以登记号NCIMB 42408保藏的细菌

[0464] 研究设计

[0465] 组:

[0466] 1.阴性对照组。用媒介物对照物处理(经口)。

[0467] 3.用治疗性细菌接种物菌株675处理(经口)。

[0468] 9.阳性对照组。用地塞米松处理(腹膜内)。

[0469] 10.未处理的对照组。

[0470] 每组小鼠数目=10

[0471] 第-14天到第27天:每日经口施用媒介物对照物(组1)。

[0472] 第-14天到第27天:每日经口施用治疗性细菌接种物(组4)。

[0473] 第0-28天:一周施用地塞米松(腹膜内)三次(组9)

[0474] 第0天:MOG35-55(髓磷脂少突神经胶质细胞糖蛋白-2mg/ml)和CFA(2mg/ml MTB) 1:1混合,产生1mg/ml溶液。将100 $\mu$ l肽-CFA混合物皮下注射到每个后腿中。腹膜内施用百日咳毒素(300ng)。

[0475] 第1天:腹膜内施用百日咳毒素(300ng)。

[0476] 第7天起:测量发病率和称重,一周三次。

[0477] 终点和分析

[0478] 分析小鼠的发病率和疾病严重度,一周三次。评分采用盲法进行。使用在0到5范围内的临床评分来评估疾病严重度,其中5指示小鼠死亡(参见以下临床评分系统)。

[0479] 监测

[0480] 在指示天数,将小鼠称重并观测疾病活动性评分和发病率。

[0481] 疾病活动性评分的观测结果:

[0482] 0-与未免疫接种的小鼠比较,运动功能无明显变化。

[0483] 0.5-尾部尖端无力。

[0484] 1.0-尾巴无力。

[0485] 1.5-尾巴无力并且后腿受阻。

[0486] 2.0-尾巴无力并且后腿虚弱。

[0487] 或-当观测到行走时存在明显的头部倾斜征象。平衡性差。

- [0488] 2.5-尾巴无力并且后腿拖曳。
- [0489] -或-存在强烈的头部倾斜,此引起小鼠有时跌倒。
- [0490] 3.0-尾巴无力并且后腿完全麻痹。
- [0491] 3.5-尾巴无力并且后腿完全麻痹。
- [0492] 外加:小鼠绕笼移动,但当将小鼠放在一侧时,无法自己恢复正常。
- [0493] 后腿一起在身体一侧上。
- [0494] 4.0-尾巴无力、后腿完全瘫痪并且前腿部分瘫痪。
- [0495] -小鼠最低限度地绕笼移动,但似乎警觉且进食
- [0496] 4.5-后腿完全瘫痪并且前腿部分瘫痪,不绕笼运动。
- [0497] 立刻对小鼠执行安乐死并从笼去除。
- [0498] 5.0因严重瘫痪而对小鼠执行安乐死。
- [0499] 当动物的疾病活动性评分等于或大于1时,认为其具有正发病评分。
- [0500] 结果
- [0501] 研究结果示于图72和73中。
- [0502] 阴性对照组中的疾病诱发成功,其中媒介物对照物和未处理的对照物展示高的评分。用菌株675处理的作用显著并且用菌株675处理的小鼠展现明显降低的发病率和疾病严重度。实际上,发病率和疾病严重度的降低与阳性对照组相当。这些数据表明菌株675可用于治疗或预防多发性硬化。
- [0503] 实施例7-稳定性测试
- [0504] 将含有至少一种本文中描述的细菌菌株的本文中描述的组合物存储在密封容器中25℃或4℃下并且将容器置于具有30%、40%、50%、60%、70%、75%、80%、90%或95%相对湿度的气氛中。如以通过标准规方案测定的菌落形成单位测量,在1个月、2个月、3个月、6个月、1年、1.5年、2年、2.5年或3年后,至少50%、60%、70%、80%或90%的细菌菌株应残留。
- [0505] 序列
- [0506] SEQ ID NO:1 (人粪拟杆菌的16S rRNA基因,部分序列,菌株:M11-AB200223)



[0507]

```
1 agagtttgat cctggctcag gatgaacgct agctacaggc ttaacacatg caagtcgagg
61 ggcagcatga acttagcttg ctaagtttga tggcgaccgg cgcacgggtg agtaacacgt
121 atccaacctt ccgtttactc agggatagcc tttcgaaaga aagattaata cctgatagta
181 tggtagagatt gcatgatggc accattaaag atttattggt aaacgatggg gatgcgttcc
241 attaggtagt aggcggggta acggcccacc tagcctgcga tggatagggg ttctgagagg
301 aaggtcccc acattggaac tgagacacgg tccaaactcc tacgggaggc agcagtgagg
361 aatattggtc aatgggagc agcctgaacc agccaagtag cgtgaaggat gaaggtccta
421 cggattgtaa acttctttta tacgggaata aagtttccta cgtgtaggat tttgtatgta
481 ccgtatgaat aagcatcggc taactccgtg ccagcagccg cggtaatacg gaggatgcga
541 gcgttatccg gatttattgg gtttaaaggg agcgcagacg ggagattaag tcagttgtga
601 aagtttgagg ctcaaccgta aaattgcagt tgatactggt ttccttgagt gcagttgagg
661 caggcggaat tcgtggtgta gcggtgaaat gcttagatat cacgaagaac cccgattgag
721 aaggcagctt gctaaactgt aactgacgtt catgctcgaa agtgtgggta tcaaacagga
781 ttagataccc tggtagtcca cacggtaaac gatggatact cgctgttggt gatatactgt
841 cagcggccaa gcgaaagcat taagtatccc acctggggag tacgccggca acggtgaaac
901 tcaaaggaat tgacgggggc ccgcacaagc ggaggaacat gtggtttaat tcgatgatac
961 gcgaggaacc ttaccgggc ttaaattgca gacgaattac gaggaactt gtaagccgca
1021 aggcgtctgt gaaggtgctg catggttgtc gtcagctcgt gccgtgaggt gtcggcttaa
1081 gtgccataac gagcgcaacc ctggtgtgca gttactaaca ggttaagctg agggctctgg

1141 ccagactgcc atcgtaagat gtgaggaagg tgggatgac gtcaaatcag cacggccctt
1201 acgtccgggg ctacacacgt gttacaatgg gaggtacaga aggcgctac ccggcaacgg
1261 gatgccaatc cccaaacct ctctcagttc ggactggagt ctgcaacccg actccacgaa
1321 gctggattcg ctagtaatcg cgcacagcc acggcgcggt gaatacgttc ccgggccttg
1381 tacacaccgc ccgtcaagcc atgaaagccg ggggtacctg aagtgcgtaa ccgcaaggag
1441 cgccctaggg taaaaccggt aattggggct aagtctaaca aggttaacca g
```

[0508] SEQ ID NO:2 (人粪拟杆菌的16S rRNA基因,部分序列,菌株:M16-AB200224)

1 agagtttgat cctggctcag gatgaacgct agctacaggc ttaacacatg caagtcgagg  
61 ggcagcatga acttagcttg ctaagtttga tggcgaccgg cgcacgggtg agtaacacgt  
121 atccaacctt ccgtttactc agggatagcc ttctgaaaga aagattaata cctgatagta  
181 tgggtgagatt gcatgatggc accattaaag atttattggg aaacgatggg gatgcgttcc  
241 attaggtagt aggcggggta acggcccacc tagcctgcga tggatagggg ttctgagagg  
301 aaggtccccc acattggaac tgagacacgg tccaaactcc tacgggaggc agcagtgagg  
361 aatattgggc aatgggagag agcctgaacc agccaagtag cgtgaaggat gaaggtccta  
421 cggattgtaa acttctttta tacgggaata aagtttccta cgtgtaggat tttgtatgta  
481 ccgtatgaat aagcatcggc taactccgtg ccagcagccg cggtaatacg gaggatgcga  
541 gcgttatccg gatttattgg gtttaaaggg agcgcagacg ggagattaag tcagttgtga  
601 aagtttgagg ctcaaccgta aaattgcagt tgatactggg ttcttgagtg gcagttgagg  
661 caggcgggaat tcgtggtgta gcggtgaaat gcttagatat cacgaagaac cccgattgcg  
[0509] 721 aaggcagctt gctaaactgt aactgacgtt catgctcgaa agtgtgggta tcaaacagga  
781 ttagataccc tggtagtcca cacggtaaac gatggatact cgctgttggc gatatactgt  
841 cagcggccaa gcgaaagcat taagtatccc acctggggag tacgccggca acggtgaaac  
901 tcaaaggaat tgacgggggc ccgcacaagc ggaggaacat gtggtttaat tcgatgatac  
961 gcgaggaacc ttaccggggc ttaaattgca gacgaattac gaggaaactt gtaagccgca  
1021 aggcgtctgt gaaggtgctg catggttgct gtcagctcgt gccgtgaggg gtcggcttaa  
1081 gtgccataac gagcgcaacc ctcggtgtca gttactaaca ggttaagctg agggctctgg  
1141 ccagactgcc atcgtaagat gtgaggaagg tggggatgac gtcaaactag cacggccctt  
1201 acgtccgggg ctacacacgt gttacaatgg gaggtacaga aggccgctac ccggcaacgg  
1261 gatgccaatc cccaaaacct ctctcagttc ggactggagt ctgcaacccg actccacgaa  
1321 gctggattcg ctagtaatcg cgcacagcc acggcgcggt gaatacgttc ccgggccttg  
1381 tacacaccgc ccgtcaagcc atgaaagccg ggggtacctg aagtgcgtaa ccgcaaggag  
1441 cgccctaggg taaaaccggg aattggggct aagtctaaca aggtaaccaa

[0510] SEQ ID NO:3 (人粪拟杆菌的16S rRNA基因,部分序列,菌株:M158-AB200225)

1 agagtttgat cctggctcag gatgaacgct agctacaggc ttaacacatg caagtcgagg  
61 ggcagcatga acttagcttg ctaagtttga tggcgaccgg cgcacgggtg agtaacacgt  
121 atccaacctt ccgtttactc agggatagcc ttctgaaaga aagattaata cctgatagta  
181 tgggtgagatt gcatgatagc accattaaag atttattggg aaacgatggg gatgcgttcc  
241 attaggtagt aggcggggta acggcccacc tagcctncca tggatagggg ttctgagagg  
[0511] 301 aaggtccccc acattggaac tgagacacgg tccaaactcc tacgggaggc agcagtgagg  
361 aatattgggc aatgggagag agcctgaacc agccaagtag cgtgaaggat gaaggtccta  
421 cggattgtaa acttctttta tacgggaata aagtatccta cgtgtaggat tttgtatgta  
481 ccgtatgaat aagcatcggc taactccgtg ccagcagccg cggtaatacg gaggatgcga  
541 gcgttatccg gatttattgg gtttaaaggg agcgcagacg ggagattaag tcagttgtga

601 aagtttgcgg ctcaaccgta aaattgcagt tgatactggt ttccttgagt gcagttgagg  
661 caggcggaat tcgtggtgta gcggtgaaat gcttagatat cacgaagaac cccgattgcg  
721 aaggcagctt gctaaactgt aactgacgtt catgctcgaa agtgtgggta tcaaacagga  
781 ttagataccc tggtagtcca cacggtaaac gatggatact cgctgttggc gatatactgt  
841 cagcggccaa gcgaaagcat taagtatccc acctggggag tacgccggca acggtgaaac  
901 tcaaaggaat tgacgggggc ccgcacaagc ggaggaacat gtggtttaat tcgatgatac  
961 gcgaggaacc ttaccggggc ttaattgca gacgaattac gaggaaactt gtaagccgca  
[0512] 1021 aggcgtctgt gaaggtgctg catggttgct gtcagctcgt gccgtgaggt gtcggcttaa  
1081 gtgccataac gagcgcaacc ctctgtgtca gttactaaca ggttaagctg aggactctgg  
1141 ccagactgcc atcgtaagat gtgaggaagg tggggatgac gtcaaactag cacggccctt  
1201 acgtccgggg ctacacacgt gttacaatgg gaggtacaga aggcagctac ccggcgacgg  
1261 gatgccaatc cccaaaacct ctctcagttc ggactggagt ctgcaaccgc actccacgaa  
1321 gctggattcg ctagtaatcg cgcacagcc acggcgcggt gaatacgttc ccgggccttg  
1381 tacacaccgc ccgtcaagcc atgaaagccg ggggtacctg aagtgcgtaa ccgcaaggag  
1441 cgccctaggg taaaaccggt aattggggct aagtcgtaac aaggtaacca a

[0513] SEQ ID NO:4 (人粪拟杆菌菌株675的共有16S rRNA序列)

[0514] GTCTGGCTCAKATGAACGCTAGCTACAGGCTTAACACATGCAAGTCGAGGGCAGCATGAACTTAGCT  
TGCTAAGTTTGATGGCGACCGGCGCACGGGTGAGTAACACGTATCCAACCTCCCGCTTACTCAGGAATAGCCTTTTCG  
AAAGAAAGATTAATGCCTGATGGTATCTTAAGCACACATGTAATTAAGATTAAAGATTTATCGGTAAGCGATGGGGA  
TGCGTTCCATTAGGTAGTAGGCGGGTAACGGCCACCTAGCCGACGATGGATAGGGGTCTGAGAGGAAGGTCCCC  
CACATTGGAAGTGAACACGGTCCAACTCCTACGGGAGGCAGCAGTGAGGAATATTGGTCAATGGGCGCGAGCCTG  
AACCAGCCAAGTAGCGTGAAGGATGAAGGTCCTATGGATTGTAACTTCTTTTATACGGGAATAAAGTGGTCCACGT  
GTGGGCCTTTGCATGTACCGTATGAATAAGCATCGGCTAACTCCGTGCCAGCAGCCGCGTAATACGGAGGATGCGA  
GCGTTATCCGATTTATTGGGTTTAAAGGGAGCGCAGACGGGGGATTAAGTCAGTTGTGAAAGTTTGCGGCTCAACC  
GTAAAATTGCAGTTGATACTGGTTCCCTTGAGTGCAGTTGAGGCAGGCGGAATTCGTGGTGTAGCGGTGAAATGCAT  
AGATATCACGAAGAACCCCGATTGCGAAGGCAGCCTGCTAAGCTGTAAGTACGTTGAGGCTCGAAAGTGTGGGTAT  
CAAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACACGGTAAACGATGGATACTCGCTGTTGGCGATATACTGTCAGCGGCC  
AAGCGAAAGCATTAAAGTATCCACCTGGGGAGTACGCCGCAACGGTGAAGTCAAAGGAATTGACGGGGGCCGCA  
CAAGCGGAGGAACATGTGGTTTAATTTCATGATACGCGAGGAACCTTACCCGGGCTTAAATTGCAGACGAATTACTT  
GGAAACAGGTAAGCCGCAAGGCGTCTGTGAAGGTGCTGCATGGTTGTCGTCAGCTCGTGCCGTGAGGTGTCGGCTTA  
AGTGCCATAACGAGCGCAACCCTCGTGGCCAGTTACTAGCAGGTAACGCTGAGGACTCTGGCCAGACTGCCATCGTA  
AGATGCGAGGAAGGTGGGGATGACGTCAAATCAGCACGGCCCTTACGTCCGGGGCTACACACGTGTTACAATGGGAG  
GTACAGAAGGCAGCTACCCGGCGACGGGATGCCAATCTCCAAAGCCTCTCTCAGTTCGGAAGTCTGCAACCCG  
ACTCCACGAAGCTGGATTGCTAGTAATCGCGCATCAGCCACGGCGCGGTGAATACGTTCCCGGGCCTTGACACAC  
CGCCCGTCAAGCCATGAAAGCCGGGAGTACCTGAAGTGCCTAACCGCAAGGAGCGCCCTAGGGTAAACCGGTAATT  
GGGGCTAAGTCNTACGGGG

[0515] SEQ ID NO:5 (多形拟杆菌的16S rRNA基因,部分序列-M58763)

1 cttntacaat gaagagtttg atcctggctc aggatnaacg ctagctacag gcttaacaca  
 61 tgcaagtcna ggggcagcat ttcagtttgc ttgcaaactg gagatggcga ccggcgacag  
 121 ggtgagtaac acgtatccaa cctgccgata actcggggat agcctttcga aagaaagatt  
 181 aatacccnat ggtataatca gaccgcatng tcttrttatt aaagaatttc ggttatcgat  
 241 ggggatgcgt tccattaggc agttggtgag gtaacggctc acnnaacctt cgatggatag  
 301 ggggttctgag aggaaggtcc cccacattgg aactgagaca cgggccaaac tcctacggga  
 361 ggcagcagtg aggaatattg gtcaatgggc gcaggcctga accagccaag tagcgtgaag  
 421 gatgactgcc ctatgggttg taaacttctt ttatatggga ataaagtttt ccacgtgtgg  
 481 aattttgtat gtaccatatg aataaggatc ggctaactcc gtgccagcag ccncgntnat  
 541 acggagnatc cgagcgttat ccggatttat tgggtttaa gggagcgtag gtggacagtt

[0516]

601 aagtcagttg tgaaagtttg cggctcaacc gtaaaattgc agttgatact ggctgtcttg  
 661 agtacagtag aggtgggcgg aattcgtggt gtagcgggtga aatgcttaga tatcacgaag  
 721 aactccgatt gcgaaggcag ctactggac tgcaactgac actgatgctc gaaagtgtgg  
 781 gtatcaaaca ggattagata ccctggtagt ccacacagta aacgatgaat actcgtgtt  
 841 tgcgatatac agtaagcggc caagcgaaag cattaagtat tccacctggg gagtacgccg  
 901 gcaacgggtga aactcaaagg aattgacggg ggccngcaca agcggaggaa catgtggttt  
 961 aattcgatga tacgcgagga accttaccgc ggcttaaatt gcatttgaat atattgaaa  
 1021 cagtatagcc gyaaggcaaa tgtgaagggtg ctgcatggtt gtgcgtcagct cgtgccgtga  
 1081 ggtgtcggct taagtgccat aacgagcgca acccttatct ttagttacta acaggtcatg  
 1141 ctgaggactc tagagagact gccgtcgtaa gatgtgagga aggtggggat gacgtcaaat  
 1201 cagcacngcc cntacgtccg gggctacaca cgtgttataa tgggggggtac agaaggcagc  
 1261 tacctggtga caggatgcta atcccaaaag cctctctcag ttcgatcgga agtctgcaac  
 1321 ccgacttcgt gaagctggat tcgctagtaa tcgcgcacga gccatggcgc ggtgaatacg  
 1381 ttcccgggcn ttgtacacac cgcccgtaa gccatgaaag ccgggggtac ctgaagtacg  
 1441 taaccgcaag gagcgtccta gggtaaaact ggtaattggg gc

[0517] SEQ ID NO:6 (菌株675染色体序列)-参见电子序列表。

[0518] SEQ ID NO:7 (菌株675质粒序列)-参见电子序列表。

[0519] 参考文献

[0520] [1]Spor et al.(2011)Nat Rev Microbiol.9(4):279-90.

[0521] [2]Eckburg et al.(2005)Science.10;308(5728):1635-8.

[0522] [3]Macpherson et al.(2001)Microbes Infect.3(12):1021-35

[0523] [4]Macpherson et al.(2002)Cell Mol Life Sci.59(12):2088-96.

[0524] [5]Mazmanian et al.(2005)Cell 15:122(1):107-18.

[0525] [6]Frank et al.(2007)PNAS 104(34):13780-5.

[0526] [7]Scanlan et al.(2006)J Clin Microbiol.44(11):3980-8.

[0527] [8]Kang et al.(2010)Inflamm Bowel Dis.16(12):2034-42.

[0528] [9]Machiels et al.(2013)Gut.63(8):1275-83.

[0529] [10]WO 2013/050792

[0530] [11]WO 03/046580

[0531] [12]WO 2013/008039

[0532] [13]WO 2014/167338

- [0533] [14]Goldin and Gorbach(2008)Clin Infect Dis.46 Suppl 2:S96-100.
- [0534] [15]Azad et al.(2013)BMJ.347:f6471.
- [0535] [16]Kitahara et al(2005)IntJ Syst Evol Microbiol.55(Pt 5):2143-7.
- [0536] [17]Masco et al.(2003)Systematic and Applied Microbiology,26:557-563.
- [0537] [18]Srůtková et al.(2011)J Micrabial.Methods,87(1):10-6.
- [0538] [19]Ye et al.(2015)PLoS One.10(1):e0117704.
- [0539] [20]Fabro et al.(2015)Immunobiology.220(1):124-35.
- [0540] [21]Yin et al.(2014)Immunogenetics.66(3):215-8.
- [0541] [22]Cheluvappa et al.(2014)Chn Exp Immunol.175(2):316-22.
- [0542] [23]Schieck et al.(2014)J Allergy Clin Immunol.133(3):888-91.
- [0543] [24]Balato et al.(2014)J Eur Acad Dermatol Venereol.28(8):1016-24.
- [0544] [25]Monteleone et al.(2011)BMC Medicine.2011,9:122.
- [0545] [26]Fahy(2009)Proc Am Thorac Soc 6.256-259
- [0546] [27]Miossec and Kolls(2012)Nat Rev Drug Discov.11(10):763-76.
- [0547] [28]Yang et al.(2014)Trends Pharmacol Sci.35(10):493-500.
- [0548] [29]Koenders et al.(2006)J.Immunol.176:6262-6269.
- [0549] [30]Amedei et al.(2012)Int J MolSci.13(10):13438-60.
- [0550] [31]Shabgah et al.(2014)Postepy.Dernatol.Alergol.31(4):256-61.
- [0551] [32]Numasaki et al.(2003)Blood.101:2620-2627.
- [0552] [33]Zhang et al.(2008)Biochem.Biophys.Res.Commun 374:533-537.
- [0553] [34]Karin(2006)Nature.441:431-436.
- [0554] [35]Faghih et al.(2013).Iranian Journal of Immunolgy.10(4):193-204.
- [0555] [36]Numasaki et al.(2005)J.Immunol.175:6177-6189
- [0556] [37]Hammerich and Tacke(2014)Clin Exp Gastroenterol 7:297-306.
- [0557] [38]Zhang(2015)Inflammation.Aug 23.
- [0558] [39]Sun et al.(2015)Cytokine.74(1):76-80.
- [0559] [40]Mucientes et al.(2015)Br JOphthalmol.99(4):566-70.
- [0560] [41]Jawad et al.(2013)Ocul Immunol Infamm.21(6):434-9.
- [0561] [42]Maya et al.(2014)J.Ophthalmology.310329
- [0562] [43]Chi et al.(2007)J.Allergy and Clinical Immunology.119(5):1218-1224.
- [0563] [44]Chi et al.(2008)Investig ative Ophthalmology &Visual Science.49(7):3058-3064.
- [0564] [45]Luger and Caspi(2008)Semin.Immunopathol.30(2):134-143.
- [0565] [46]Miyamoto-Shinohara et al.(2008)J.Gen.Appl.Microbiol.,54,9-24.
- [0566] [47]Cryopreservation and Freeze-Drying Protocols,ed.by Day and McLellan,Humana Press.
- [0567] [48]Leslie et al.(1995)Appl.Environ.Microbiol.61,3592-3597.
- [0568] [49]Mitropoulou et al.(2013)J Nutr Metab.(20013)716861.

- [0569] [50]Kailasapathy et al.(2002)Curr Issues Intest Microbiol.3(2):39-48.
- [0570] [51]Handbook of Pharmaceutical Excipients,2nd Edition,(1994),Edited by A Wade and PJ Weller
- [0571] [52]Remington's Pharmaceutical Sciences,Mack Publishing Co.(A.R.Gennaro edit.1985)
- [0572] [53]Handbook of Microbiological Media.Fourth Edition(2010)Ronald Atlas,CRC Press.
- [0573] [54]Maintaining Cultures for Biotechnology and Industry(1996)Jennie C.Hunter-Cevera,Academic Press
- [0574] [55]Strobel(2009)Methods Mol Biol.581:247-61.
- [0575] [56]"Creating Bacterial Glycerol Stocks for Long-term Storage of Plasmids"Addgene-<https://www.addgene.org/plasmid-protocols/create-glycerol-stock/>
- [0576] [57]Gennaro(2000)Remington:The Science and Practice of Pharmacy:20th edition,ISBN:0683306472.
- [0577] [58]Molecular Biology Techniques:An Intensive Laboratory Course,(Ream et al.,eds.,1998,Academic Press).
- [0578] [59]Methods In Enzymology(S.Colowick and N.Kaplan,eds.,Academic Press,Inc.)
- [0579] [60]Handbook of Experimental Immunology,Vols.I-IV(D.M.Weir and C.C.Blackwell,eds,1986,Blackwell Scientific Publications)
- [0580] [61]Sambrook et al.(2001)Molecular Cloning:A Laboratory Manual,3rd edition(Cold Spring Harbor Laboratory Press).
- [0581] [62]Handbook of Surface and Colloidal Chemistry(Birdi,K.S.ed.,CRC Press,1997)
- [0582] [63]Ausubel et al.(eds)(2002)Short protocols in molecular biology,5th edition(Current Protocols).
- [0583] [64]PCR(Introduction to Biotechniques Series),2nd ed.(Newton & Graham eds.,1997,Springer Verlag)
- [0584] [65]Current Protocols in Molecular Biology(F.M.Ausubel et al.,eds.,1987)Supplement 30
- [0585] [66]Smith & Waterman(1981)Adv.Appl.Math.2:482-489.
- [0586] [67]Brand et al.(2007)Nature Protocols.2(5):1269-1275
- [0587] [68]Jiao et al.(2014)Immunopathology and Infectious Diseases.184(4):1085-93.

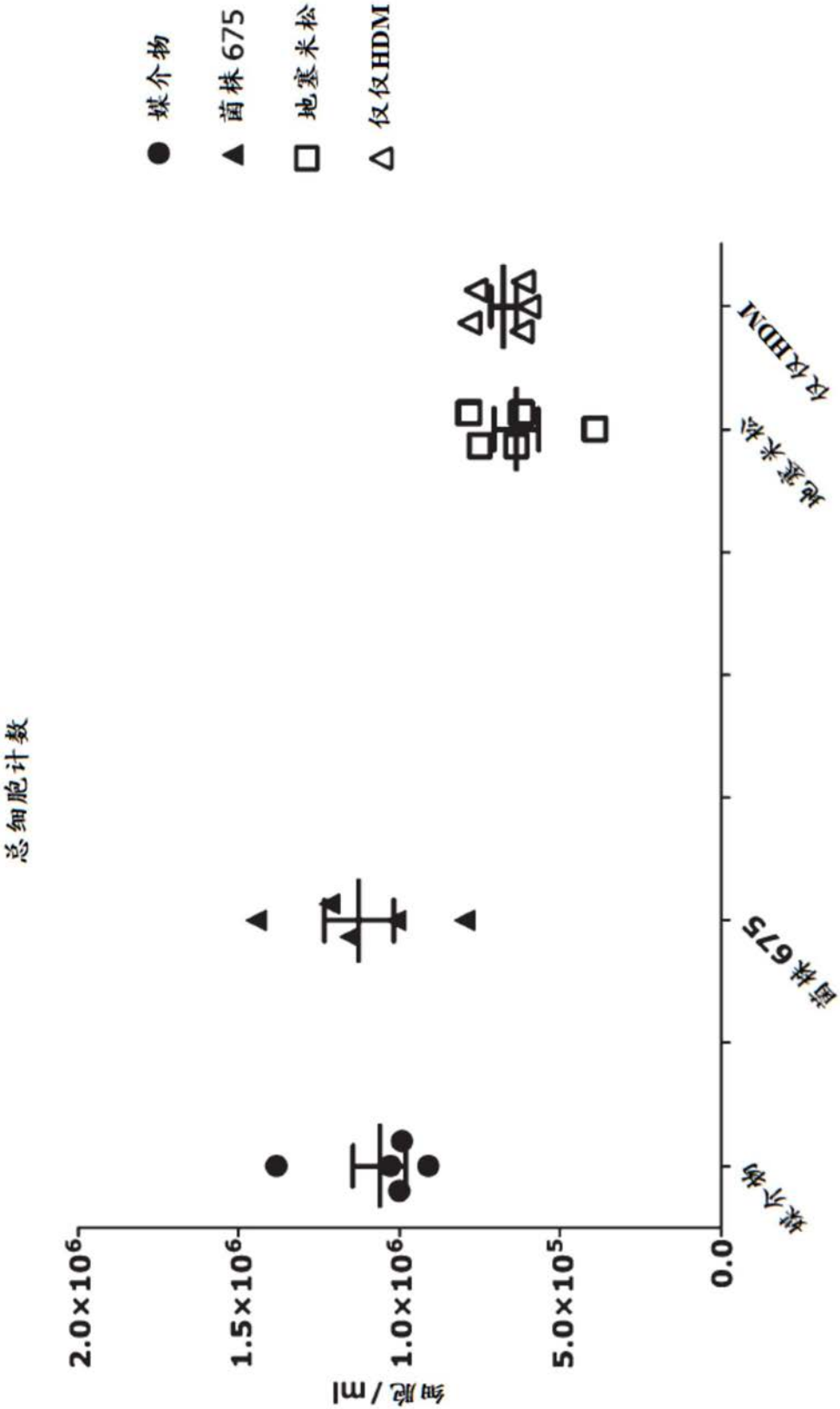


图1

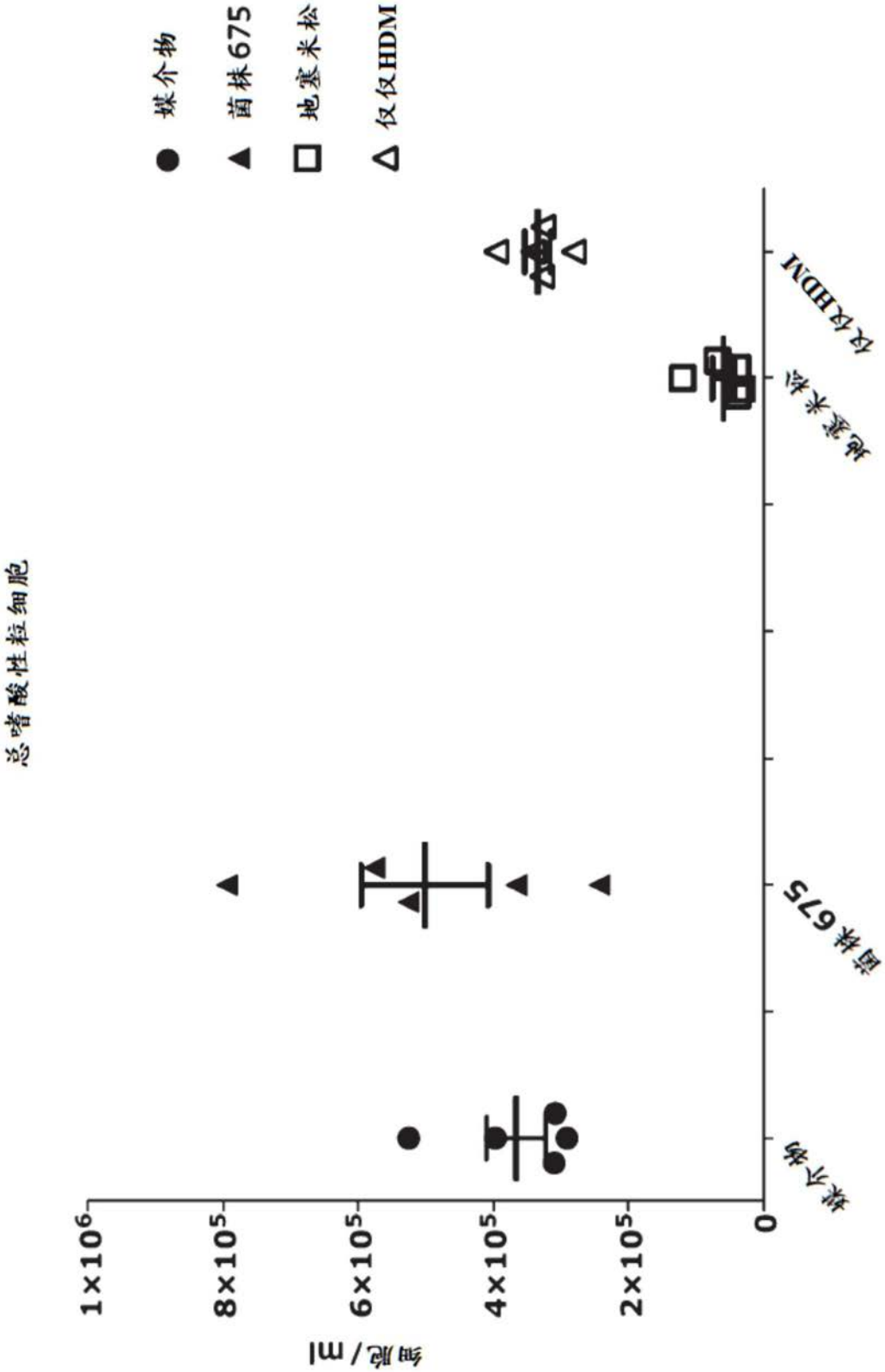


图2



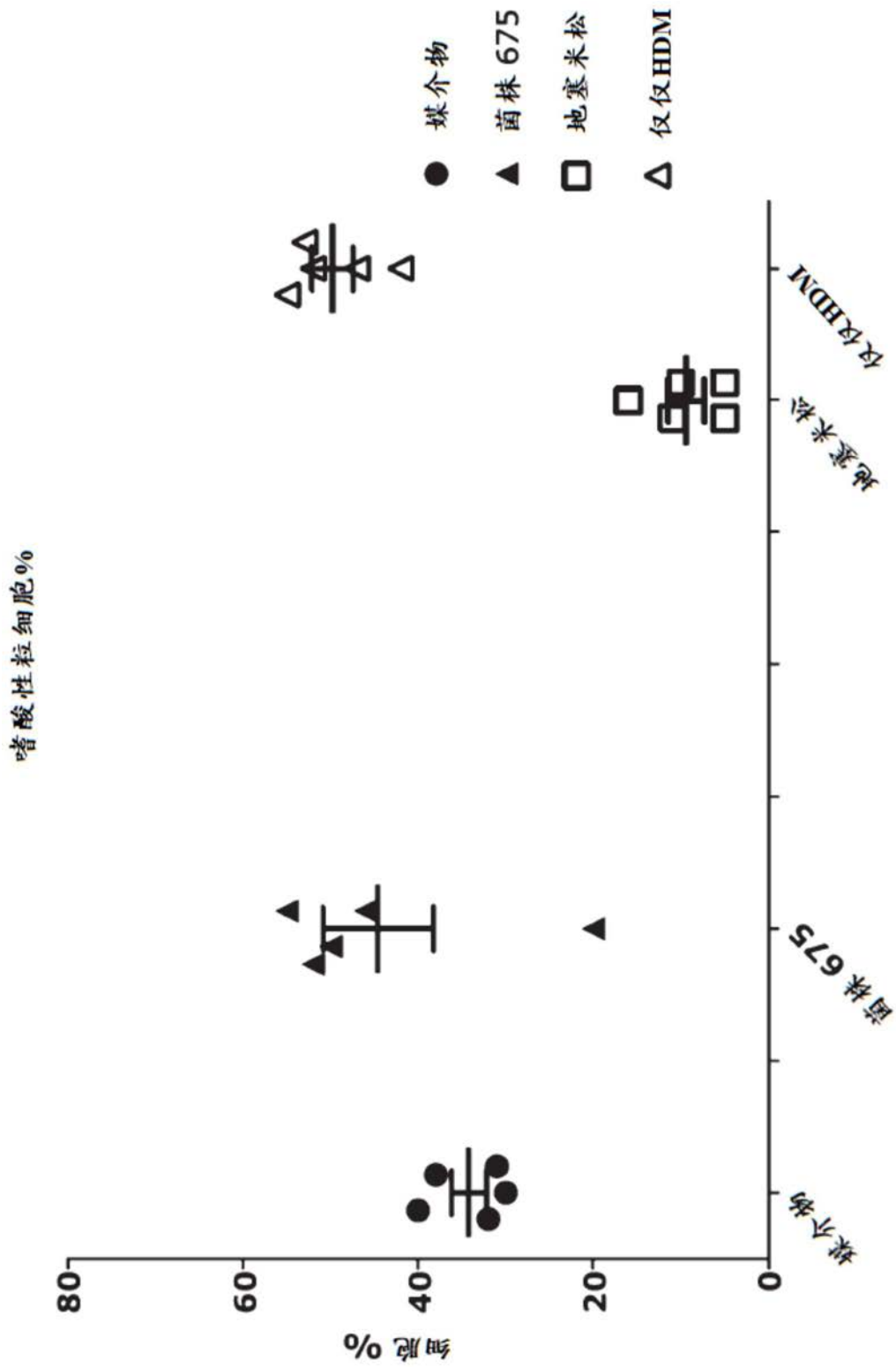


图3

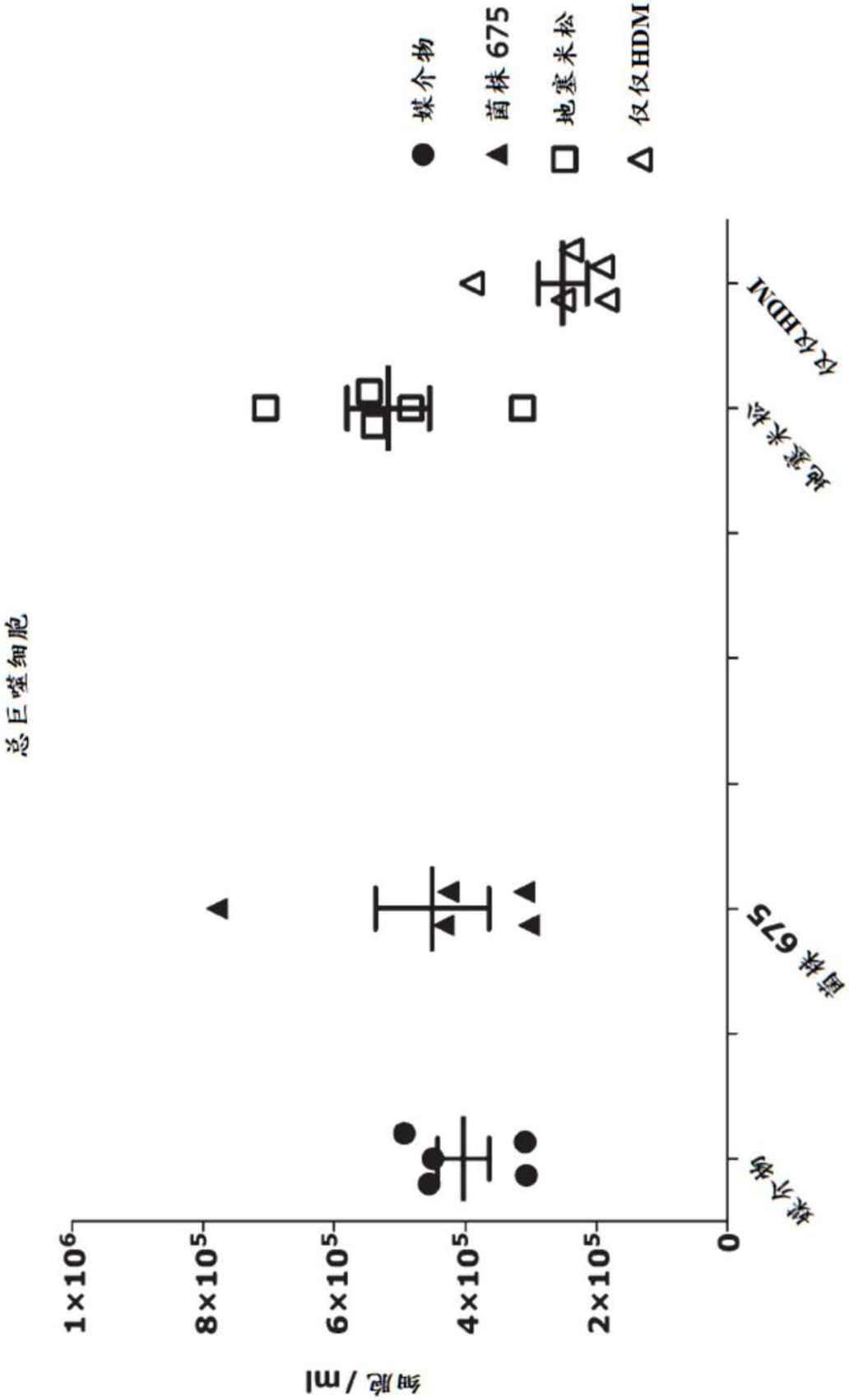


图4

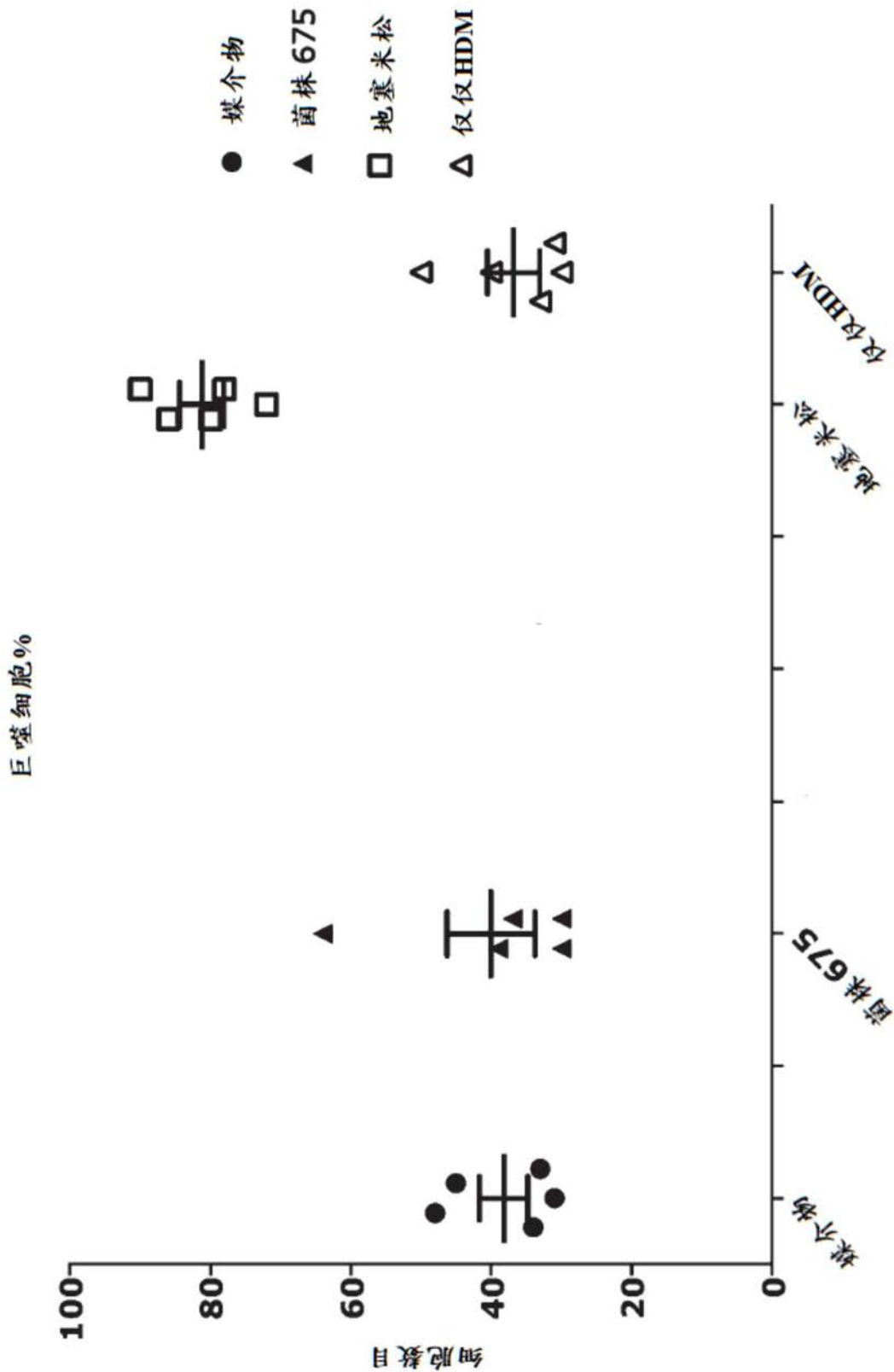


图5

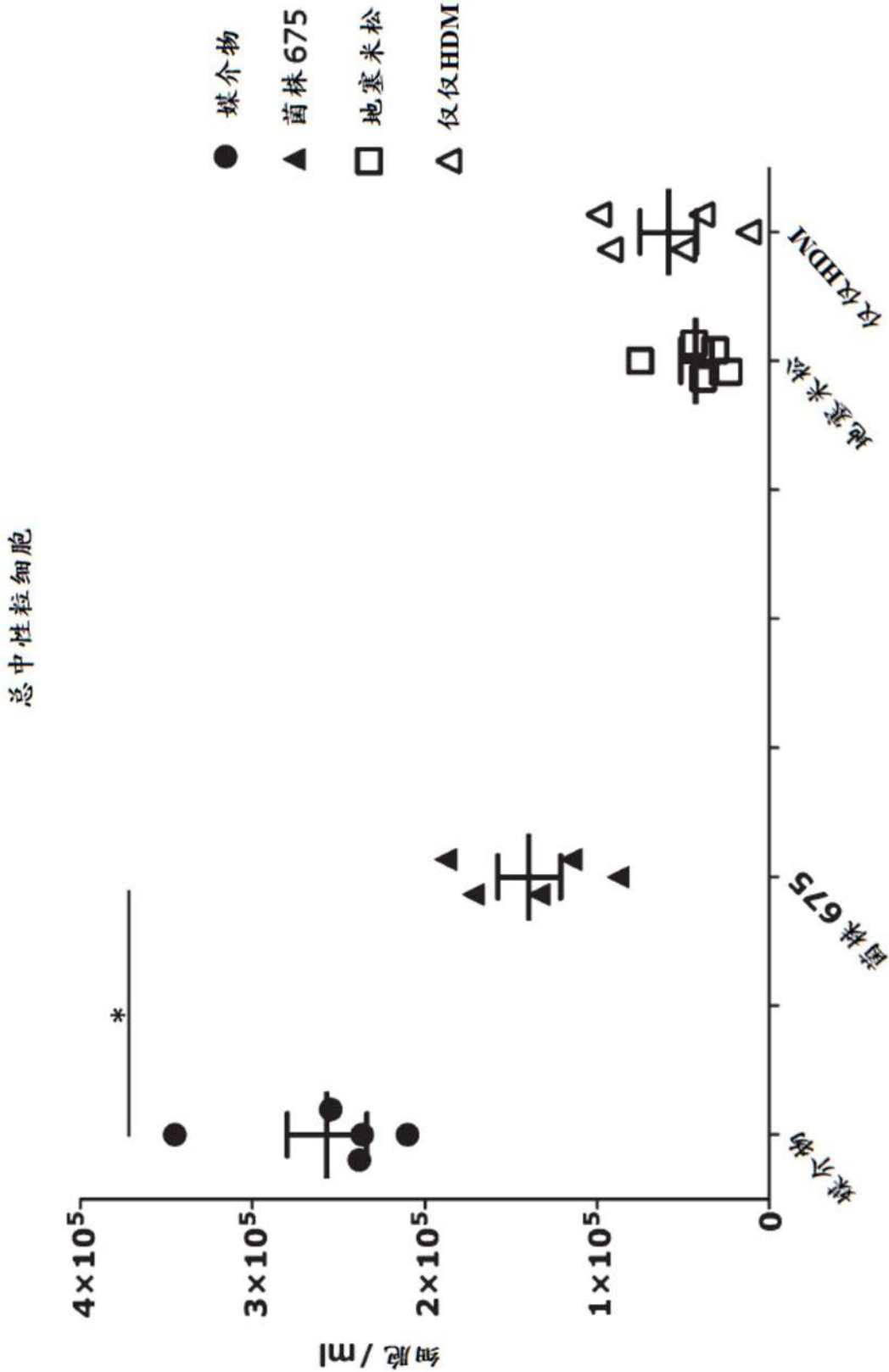


图6

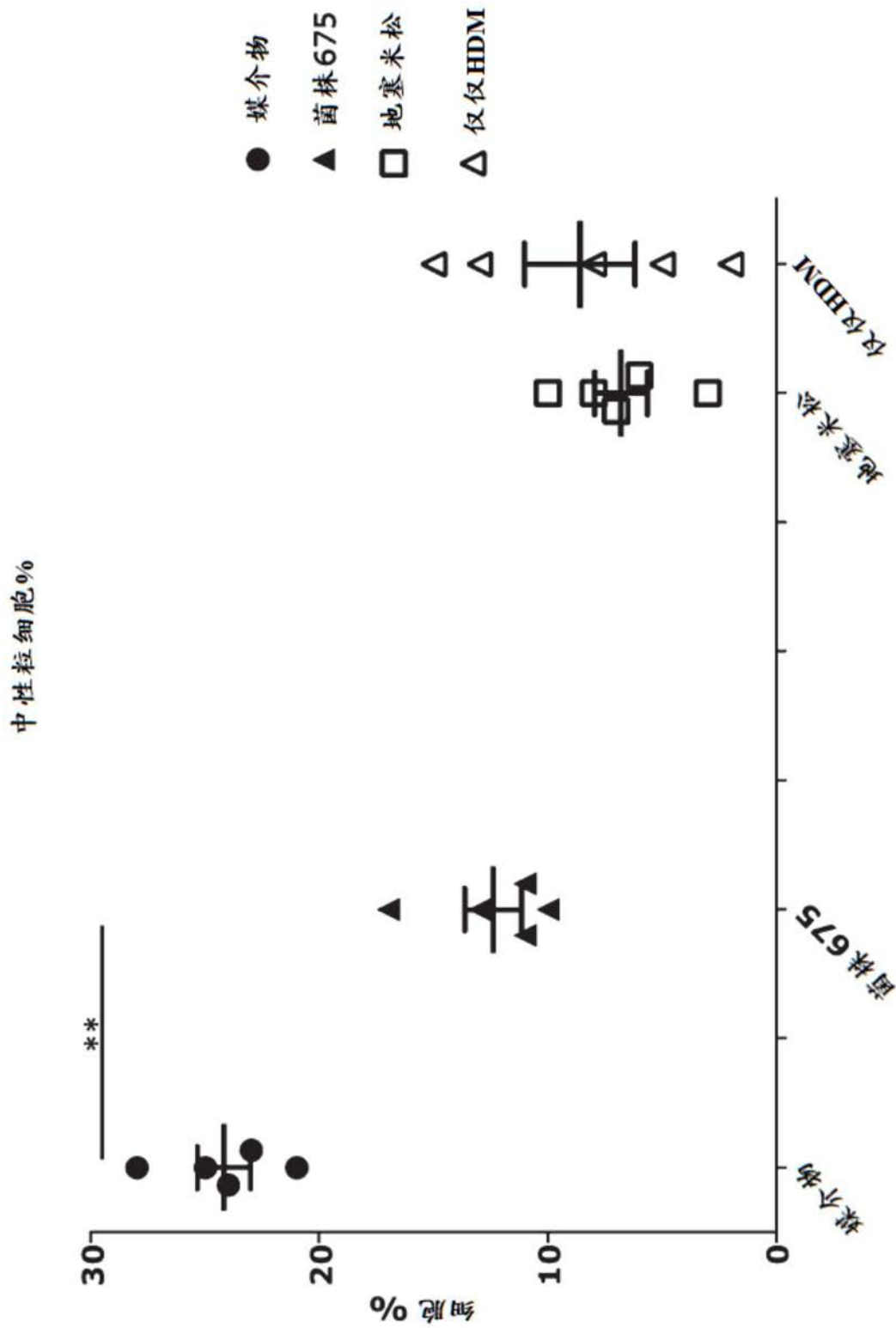


图7

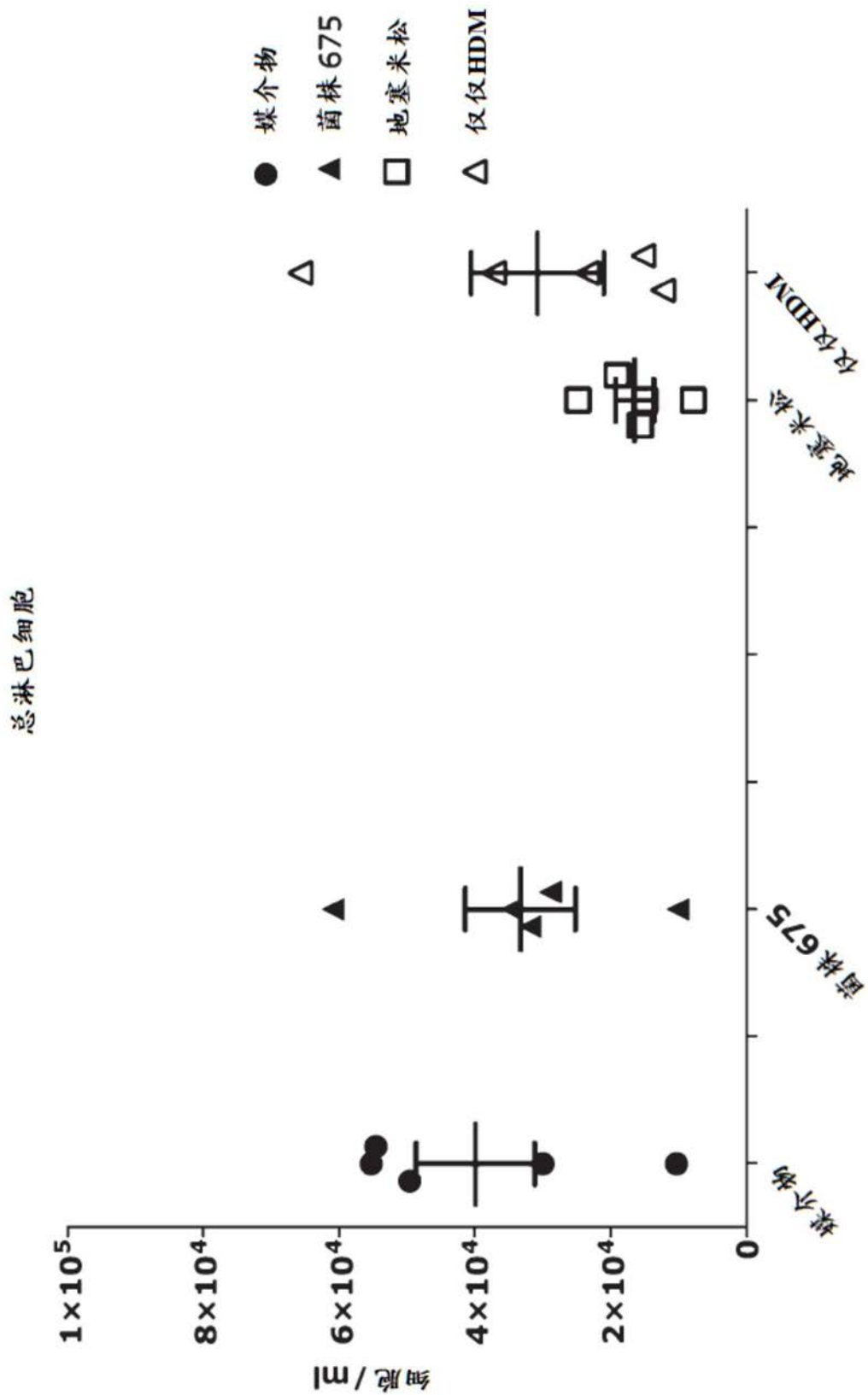


图8

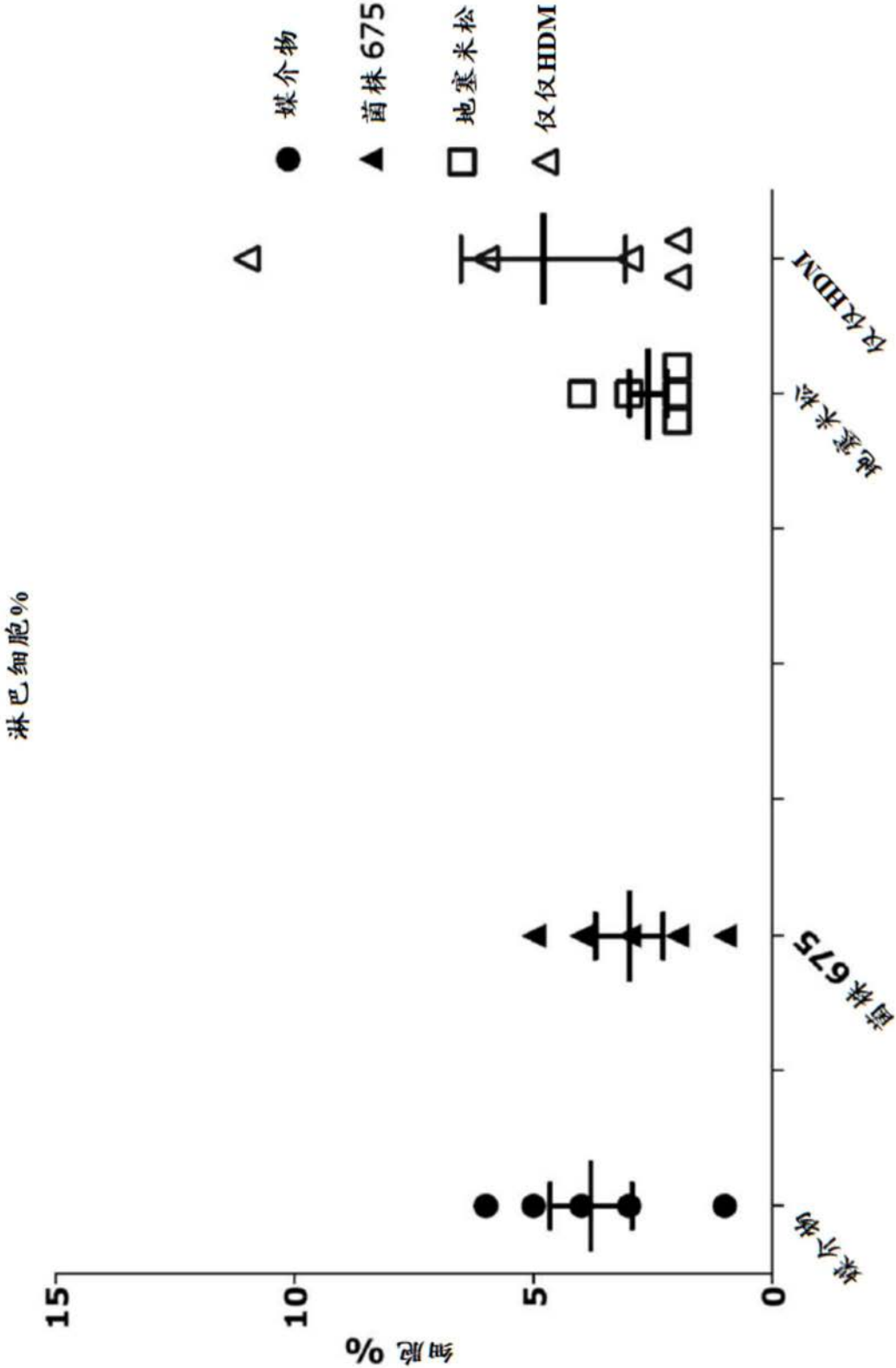


图9

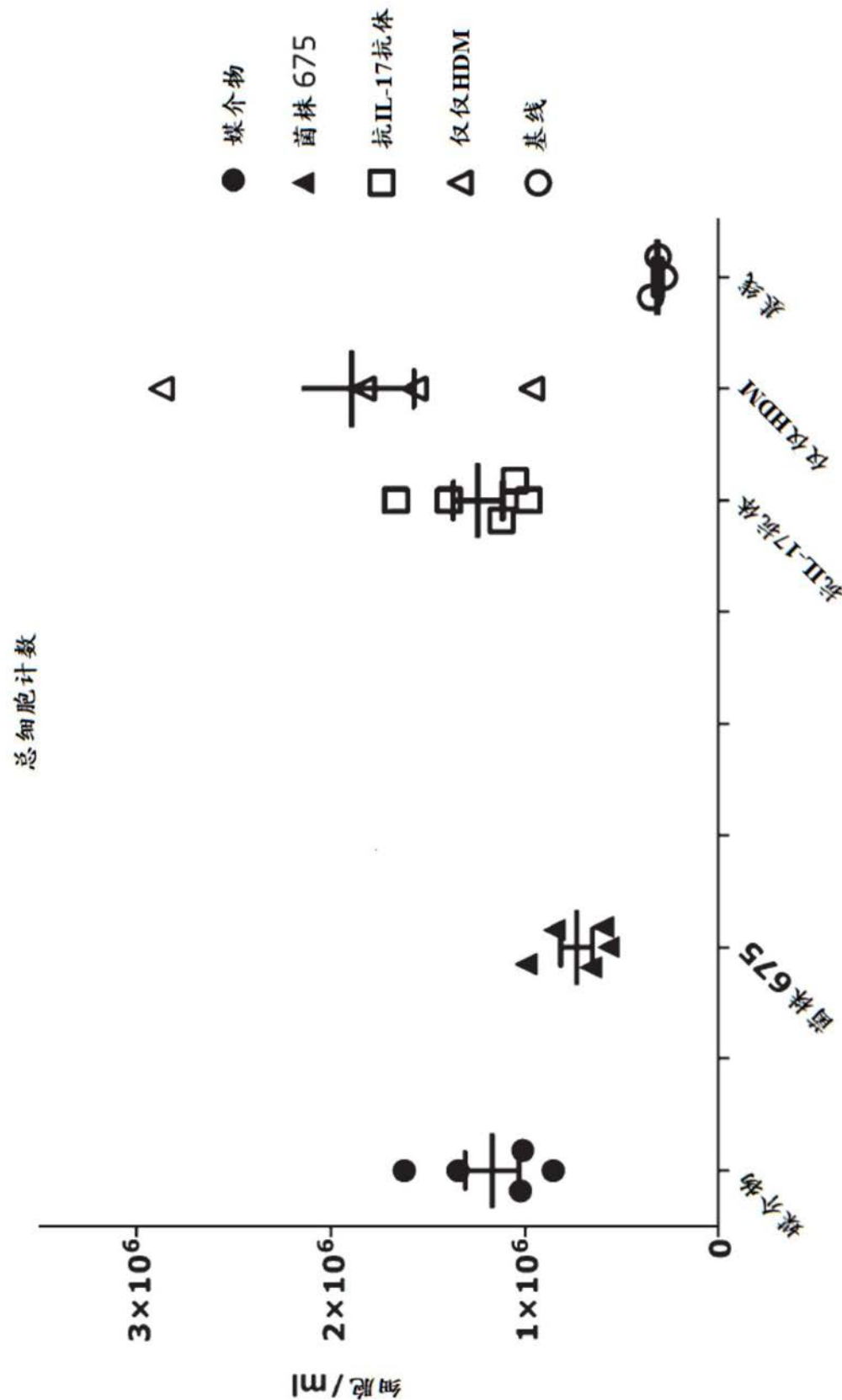


图10



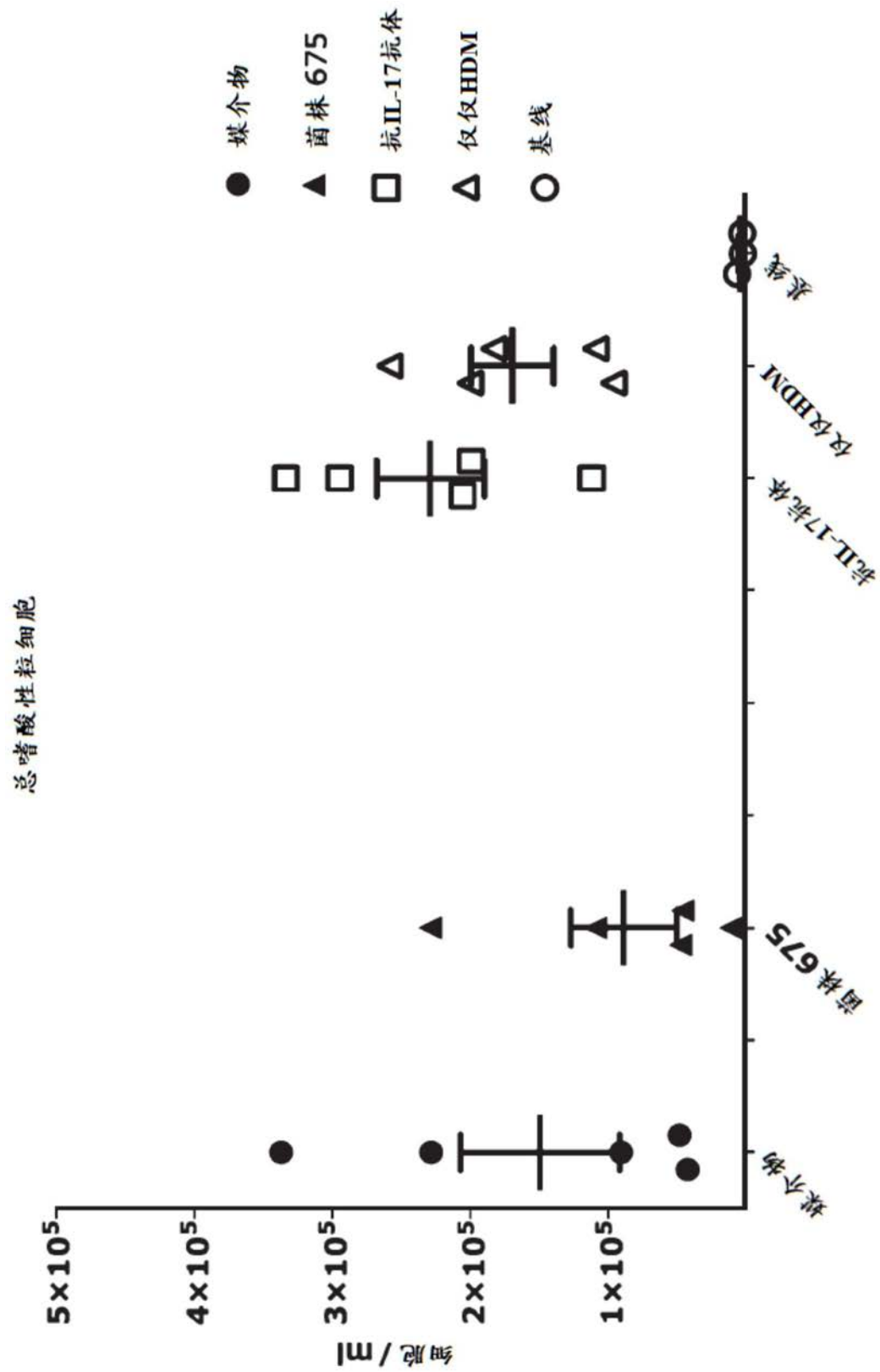


图11

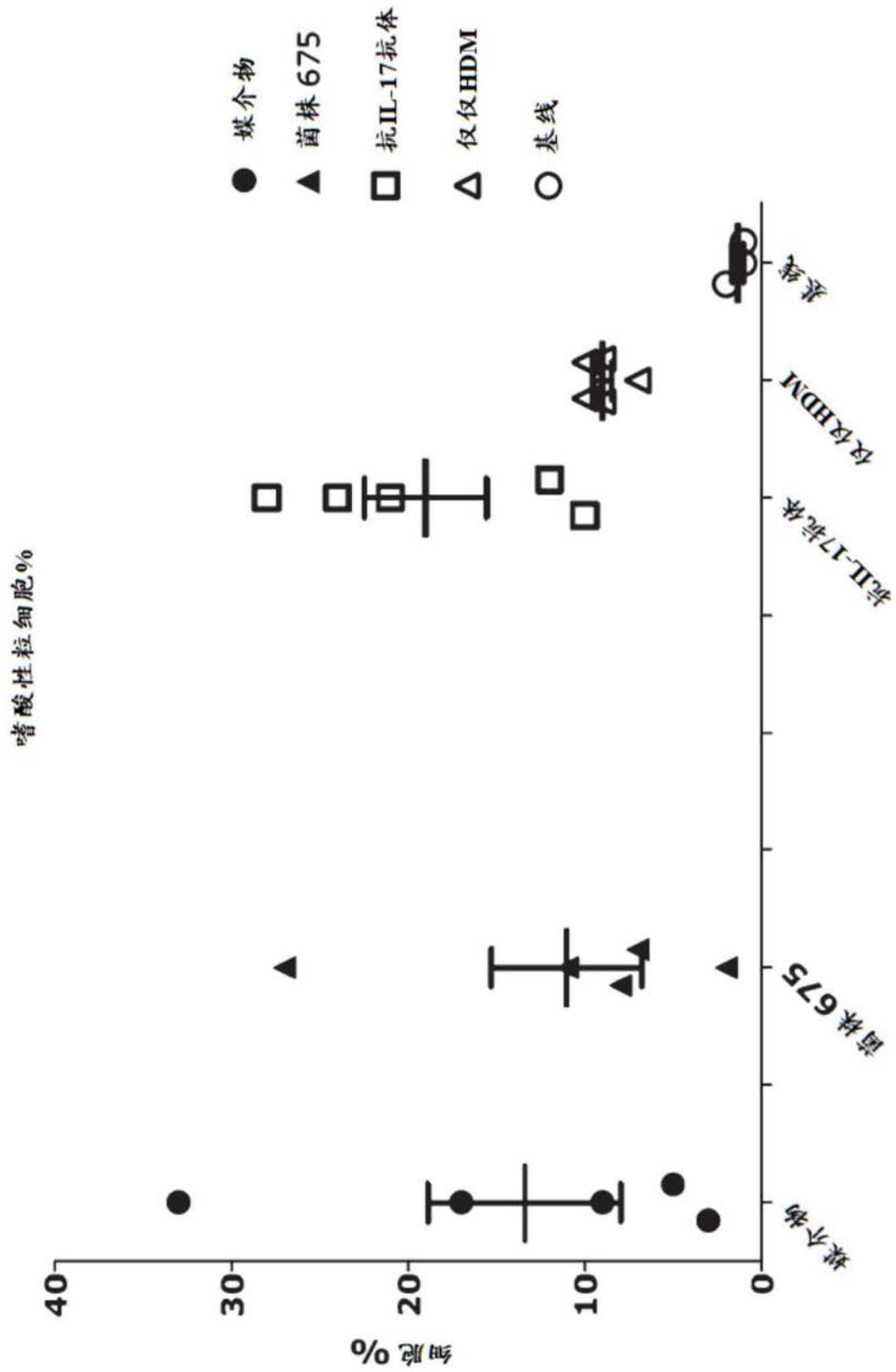


图12

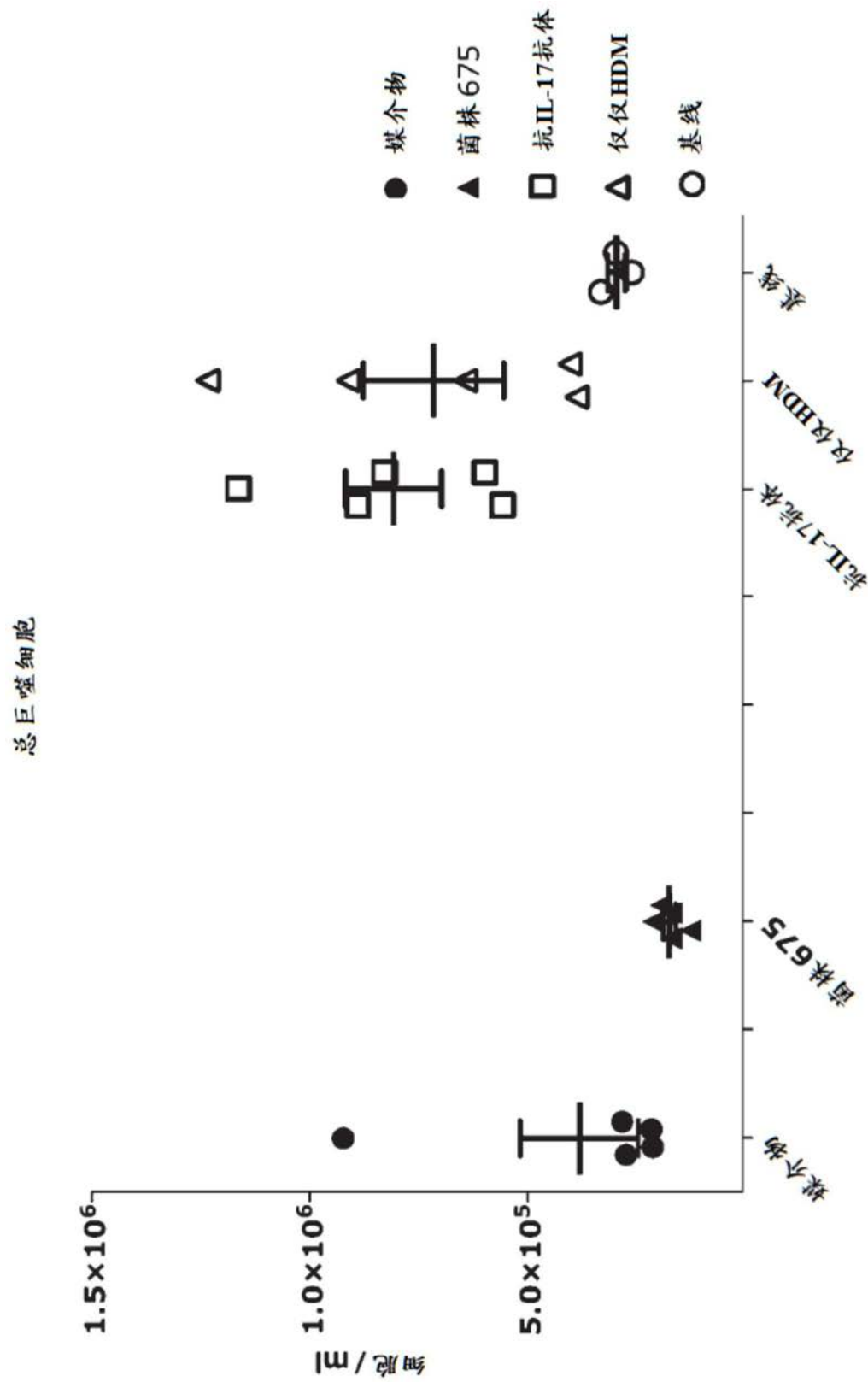


图13

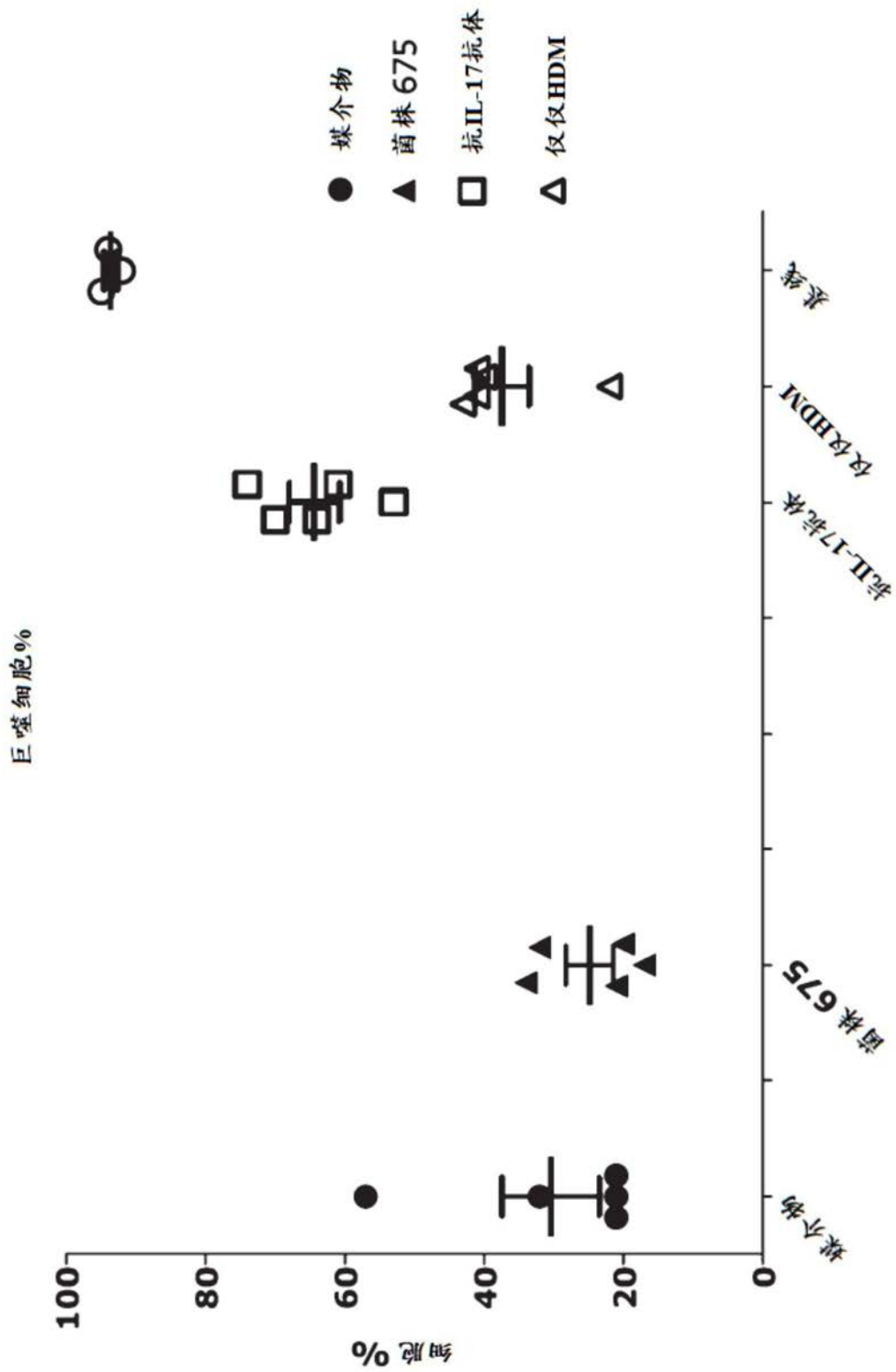


图14

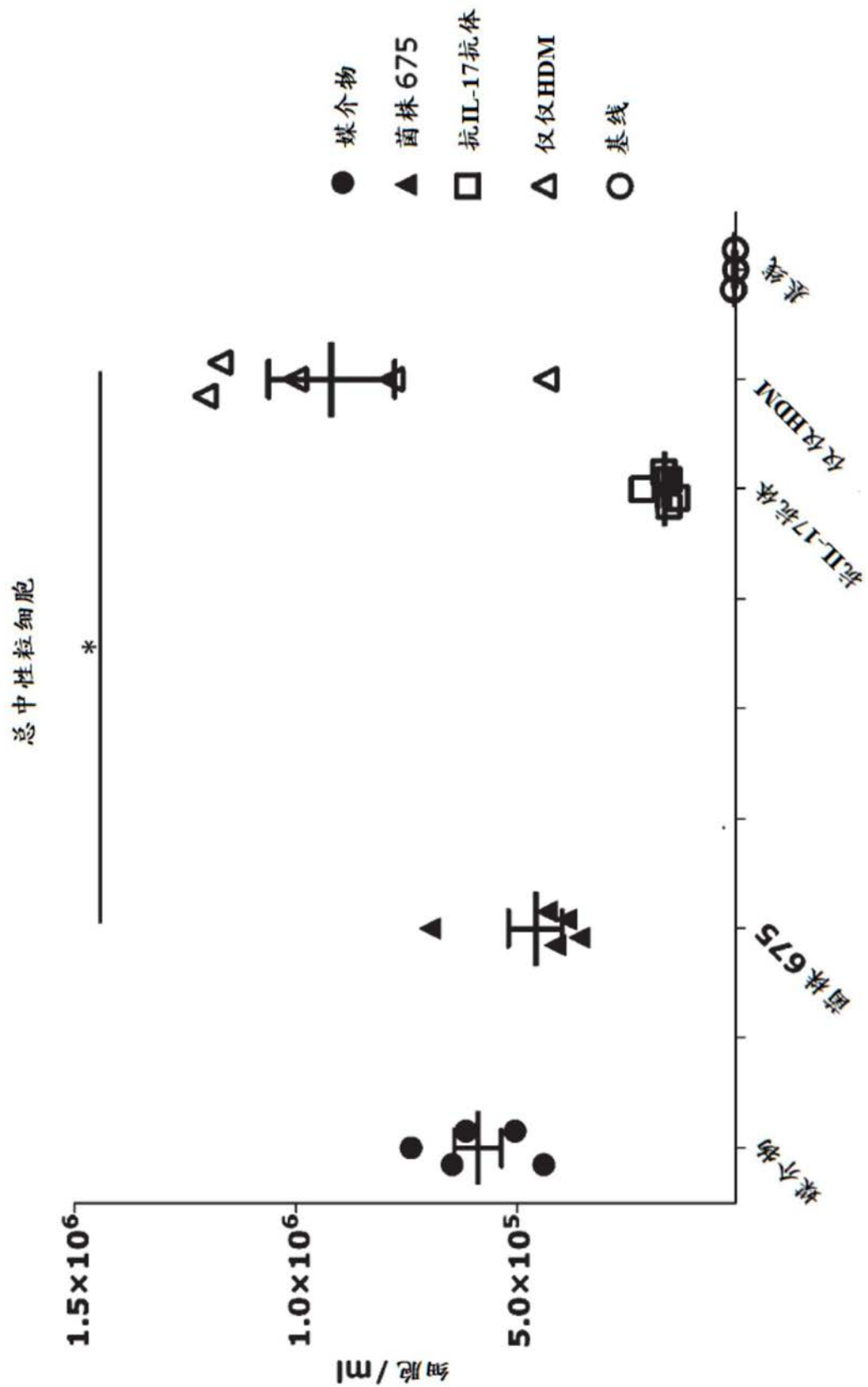


图15

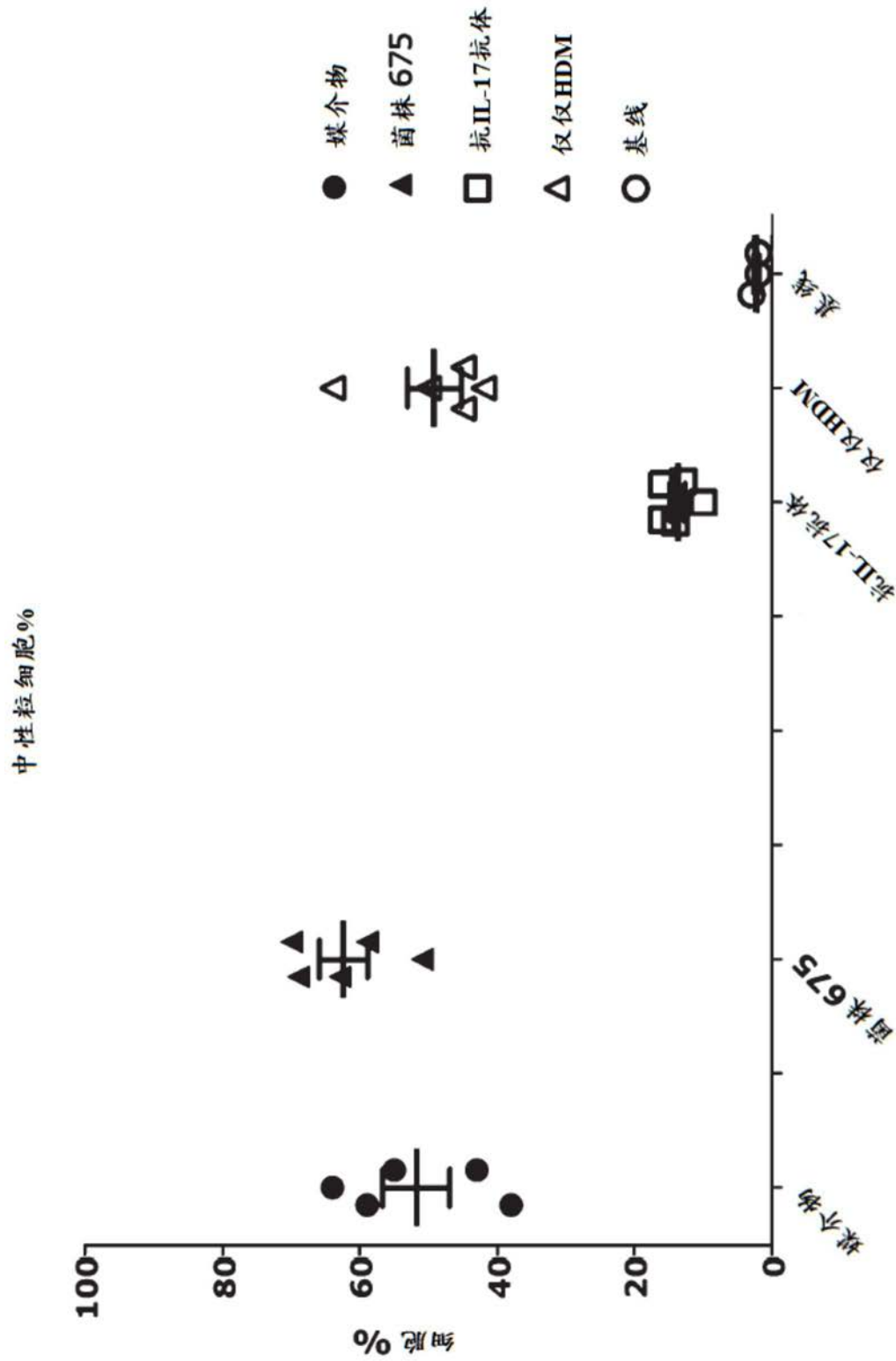


图16

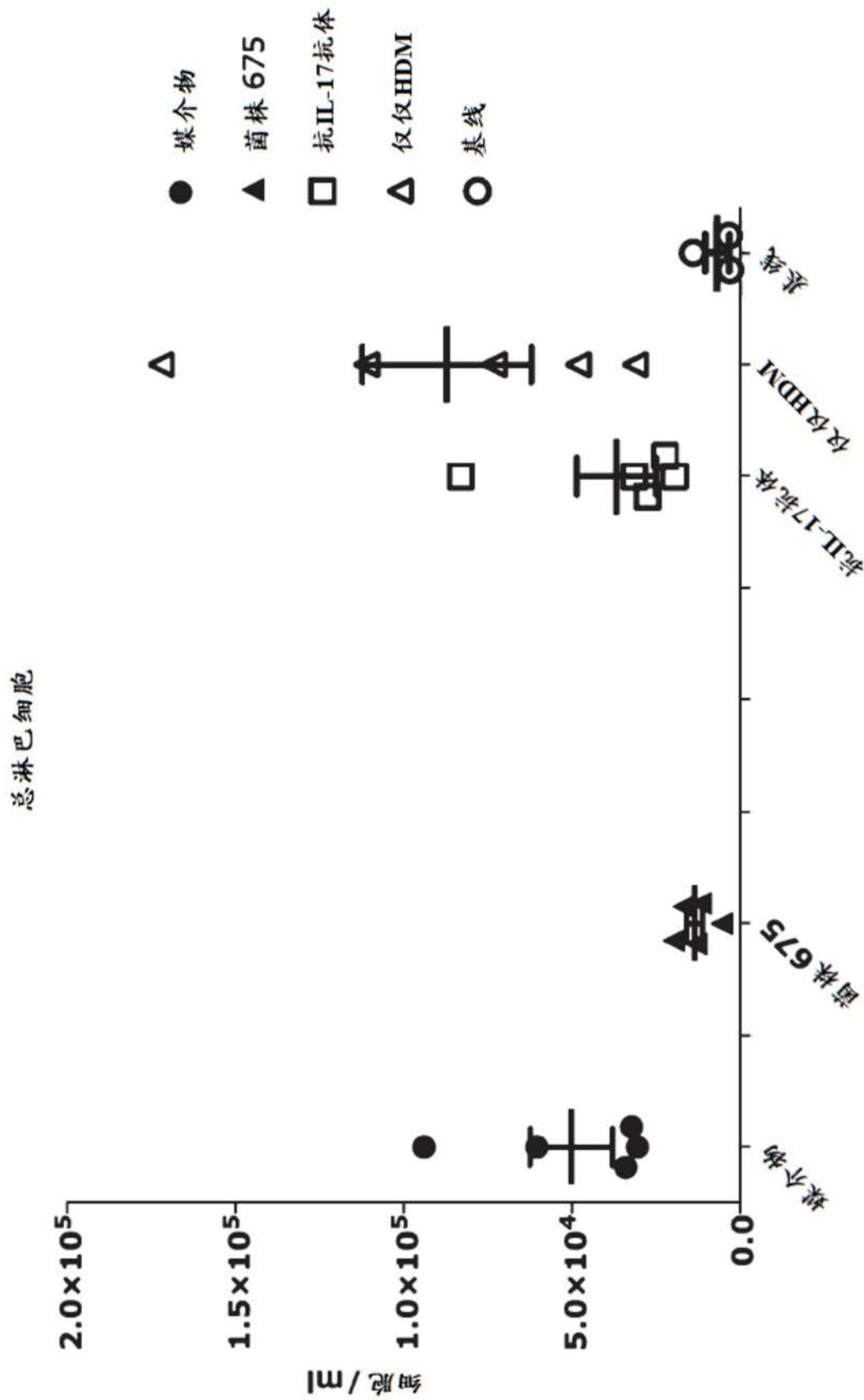


图17

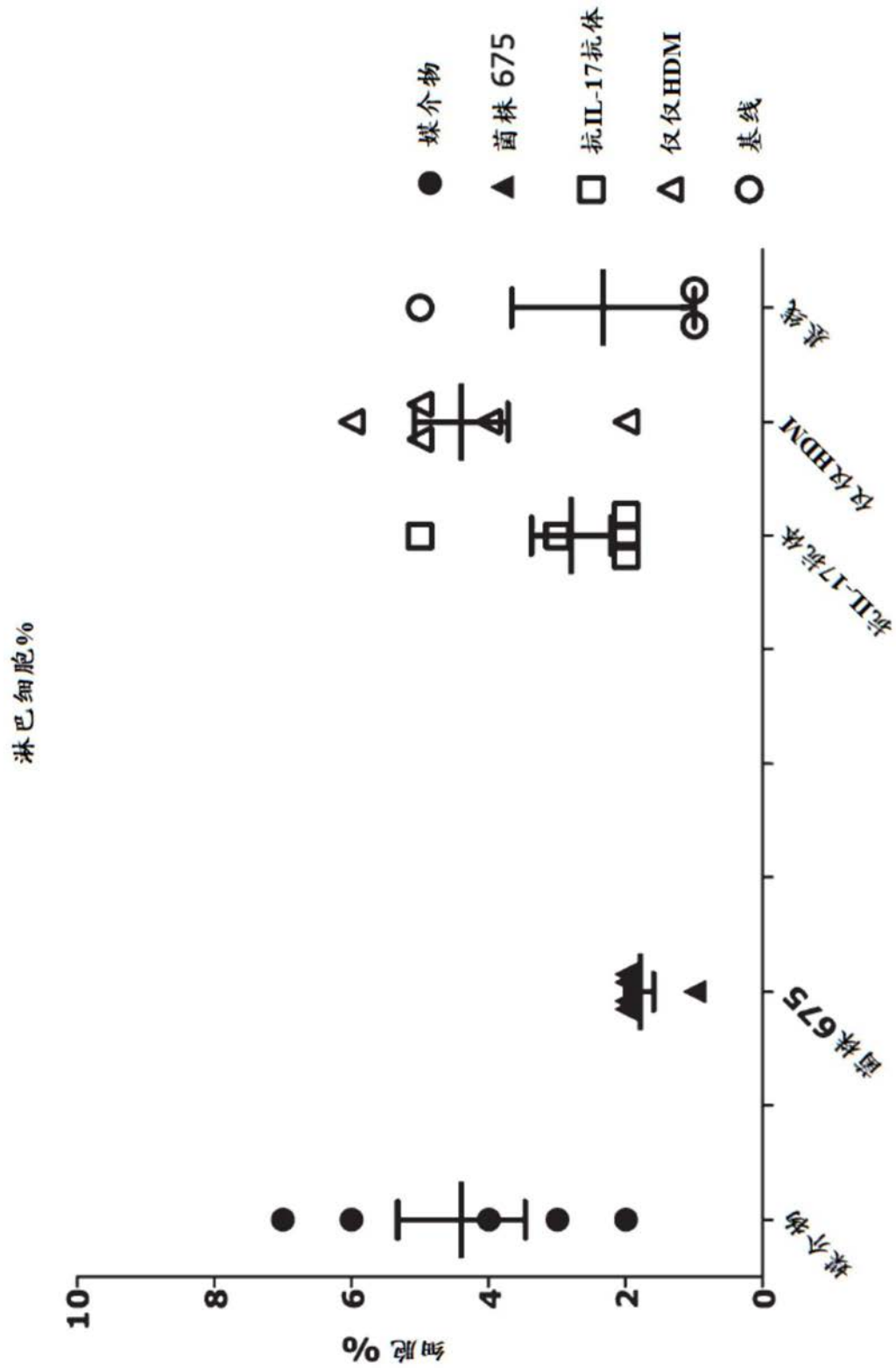


图18



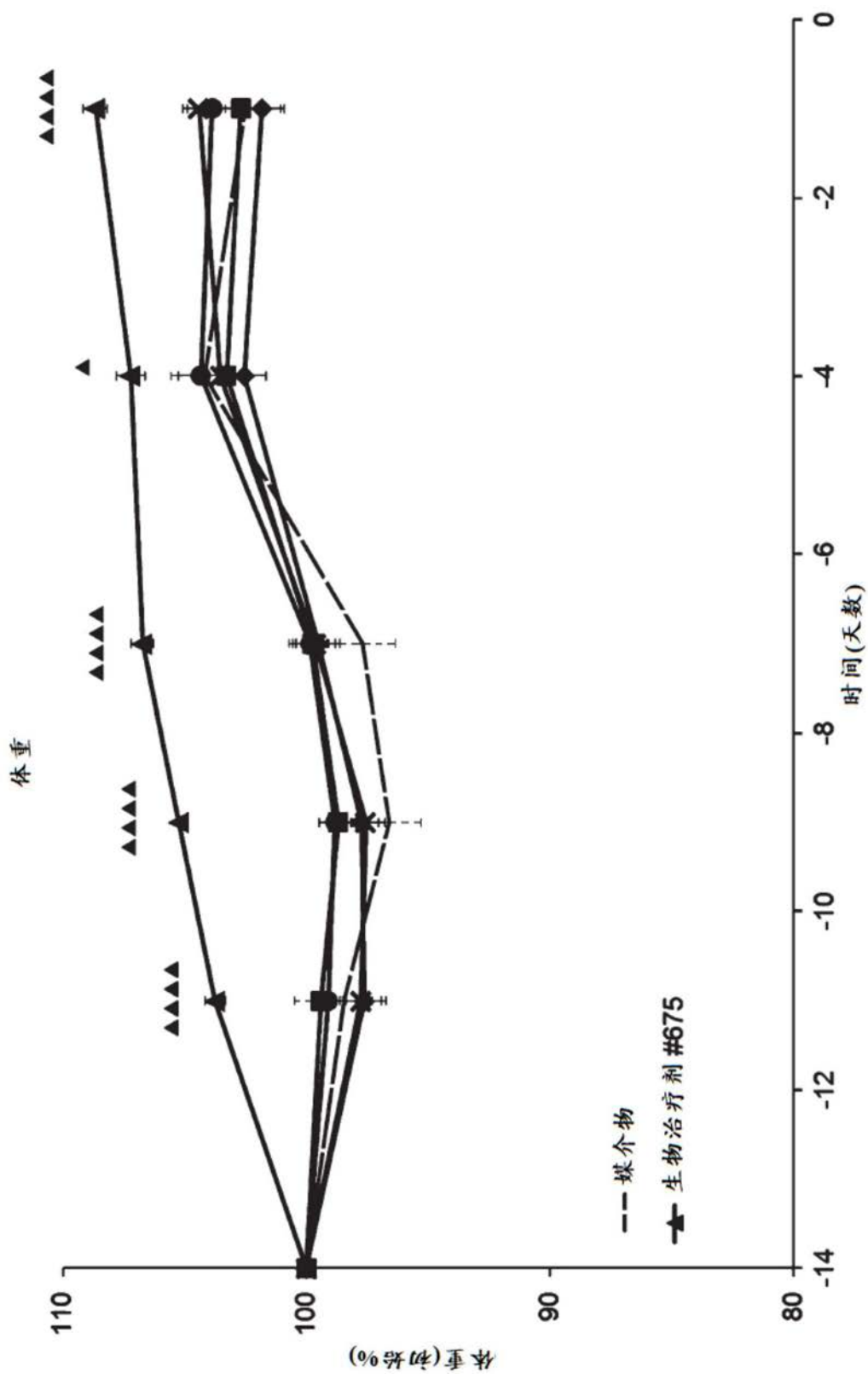


图19

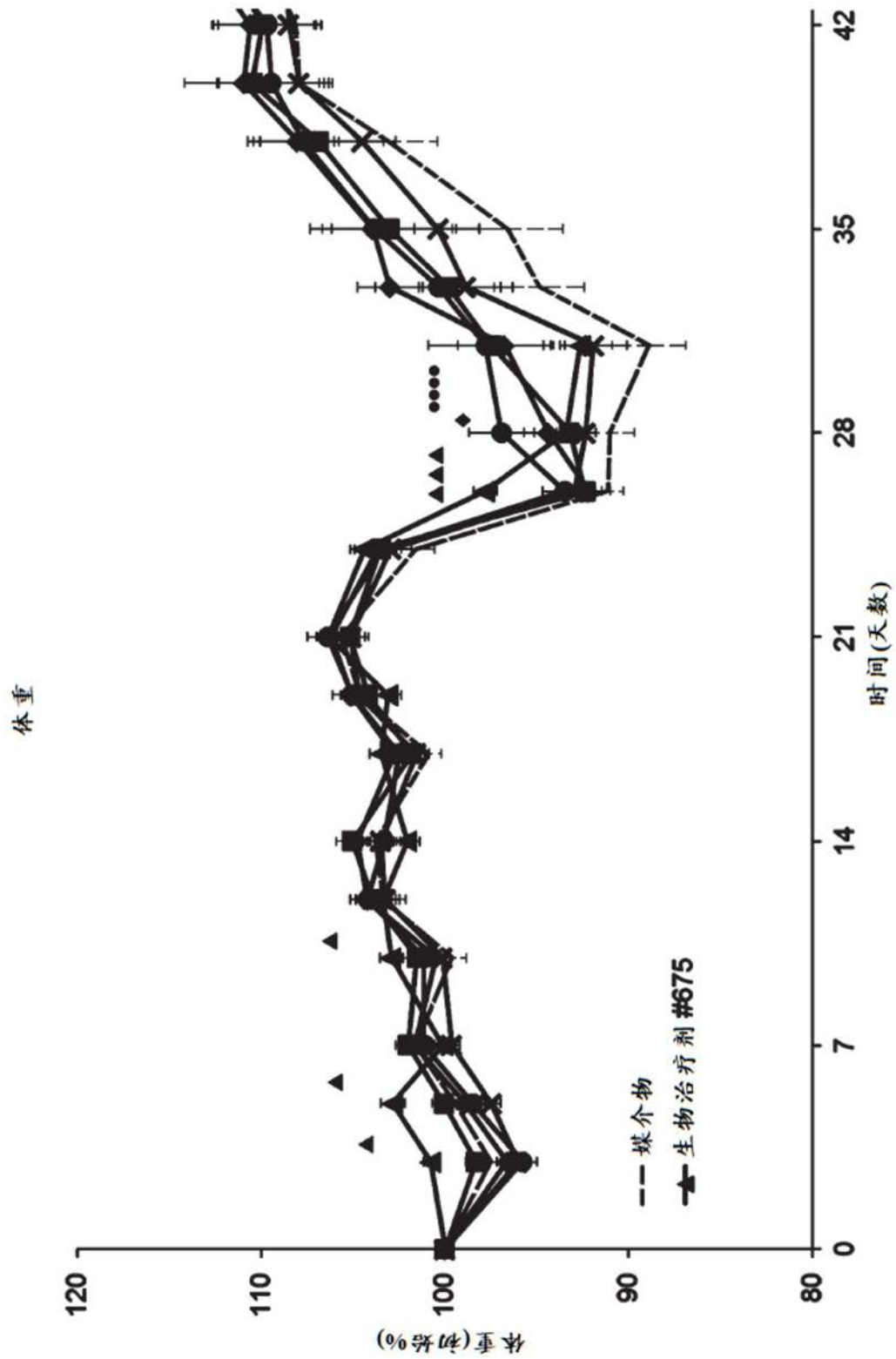


图20

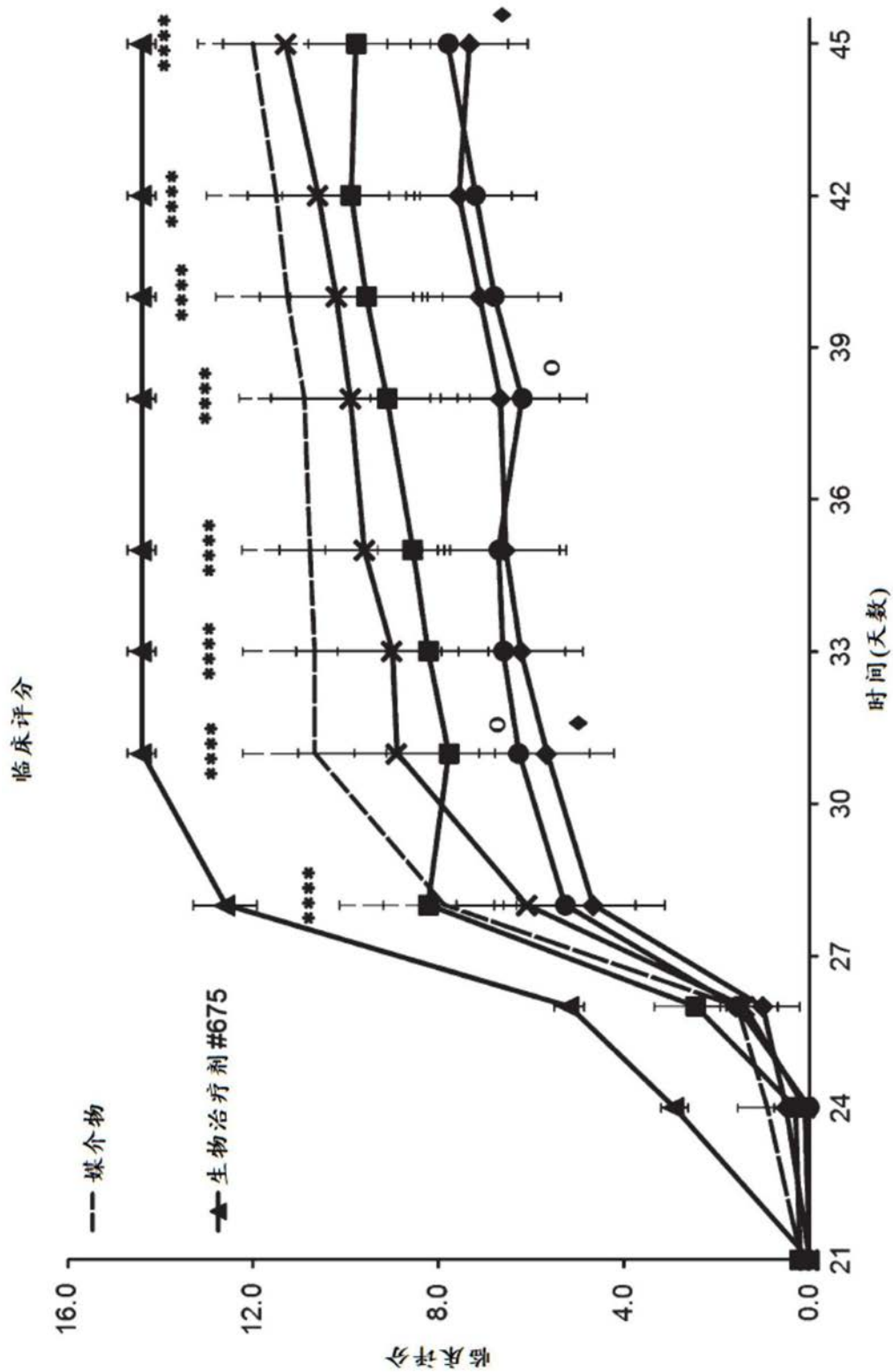


图21



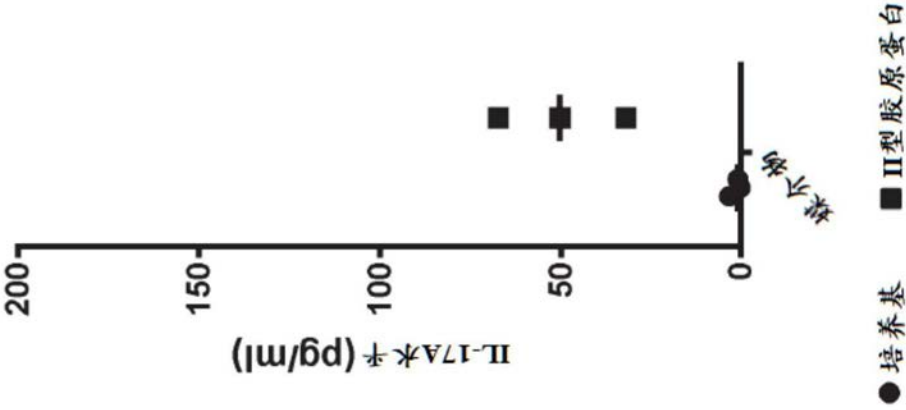


图24

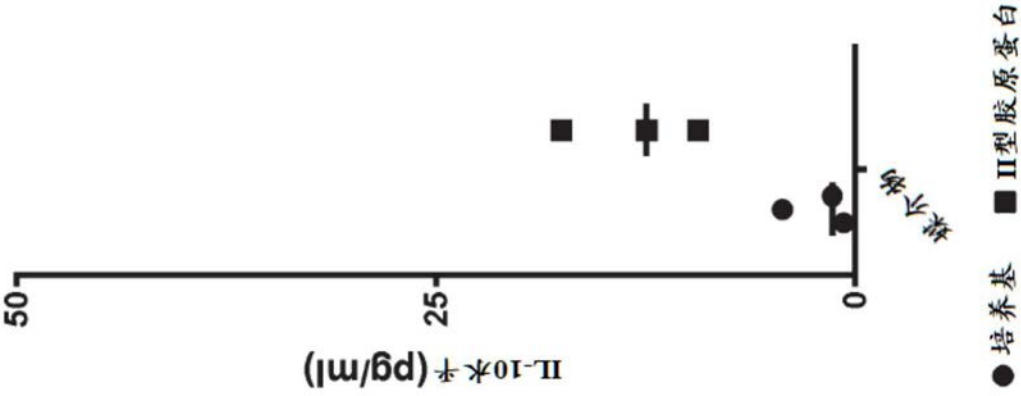


图25

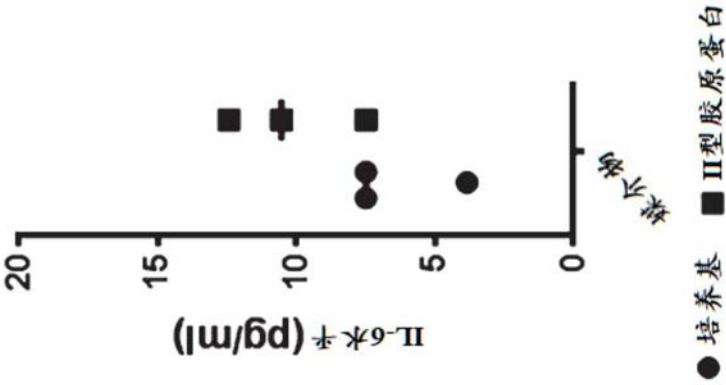


图26

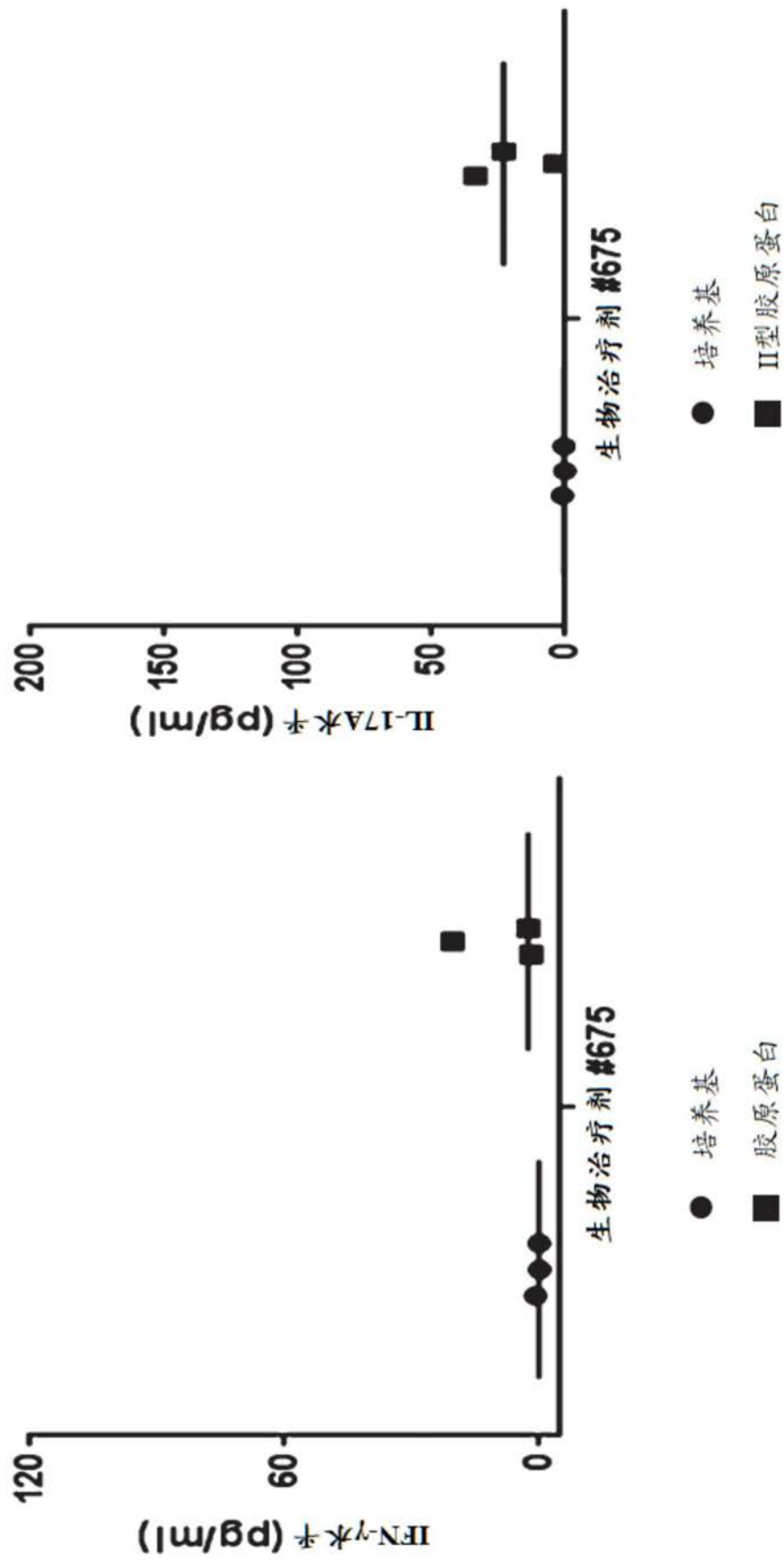


图27

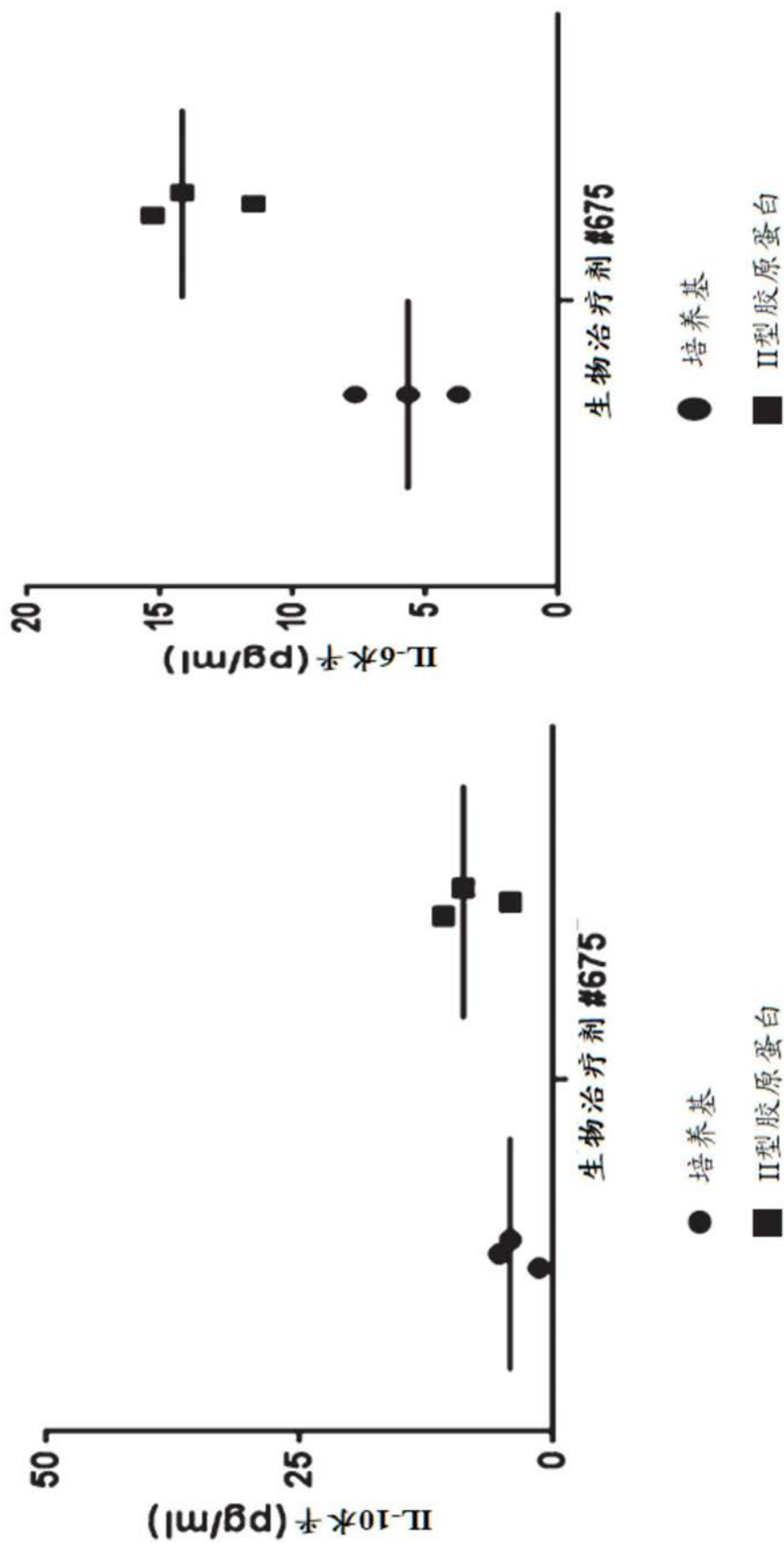


图27 (续)

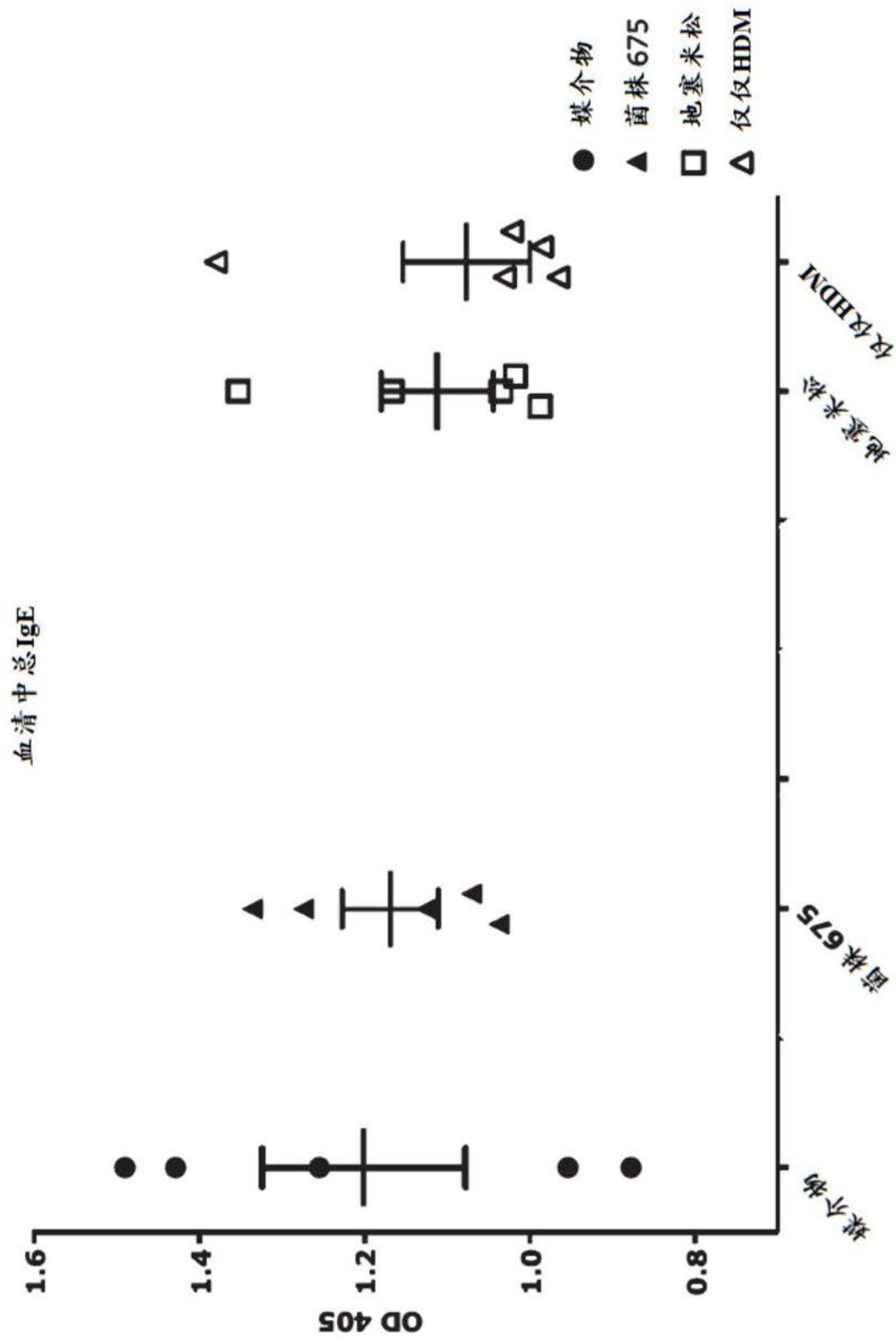


图28



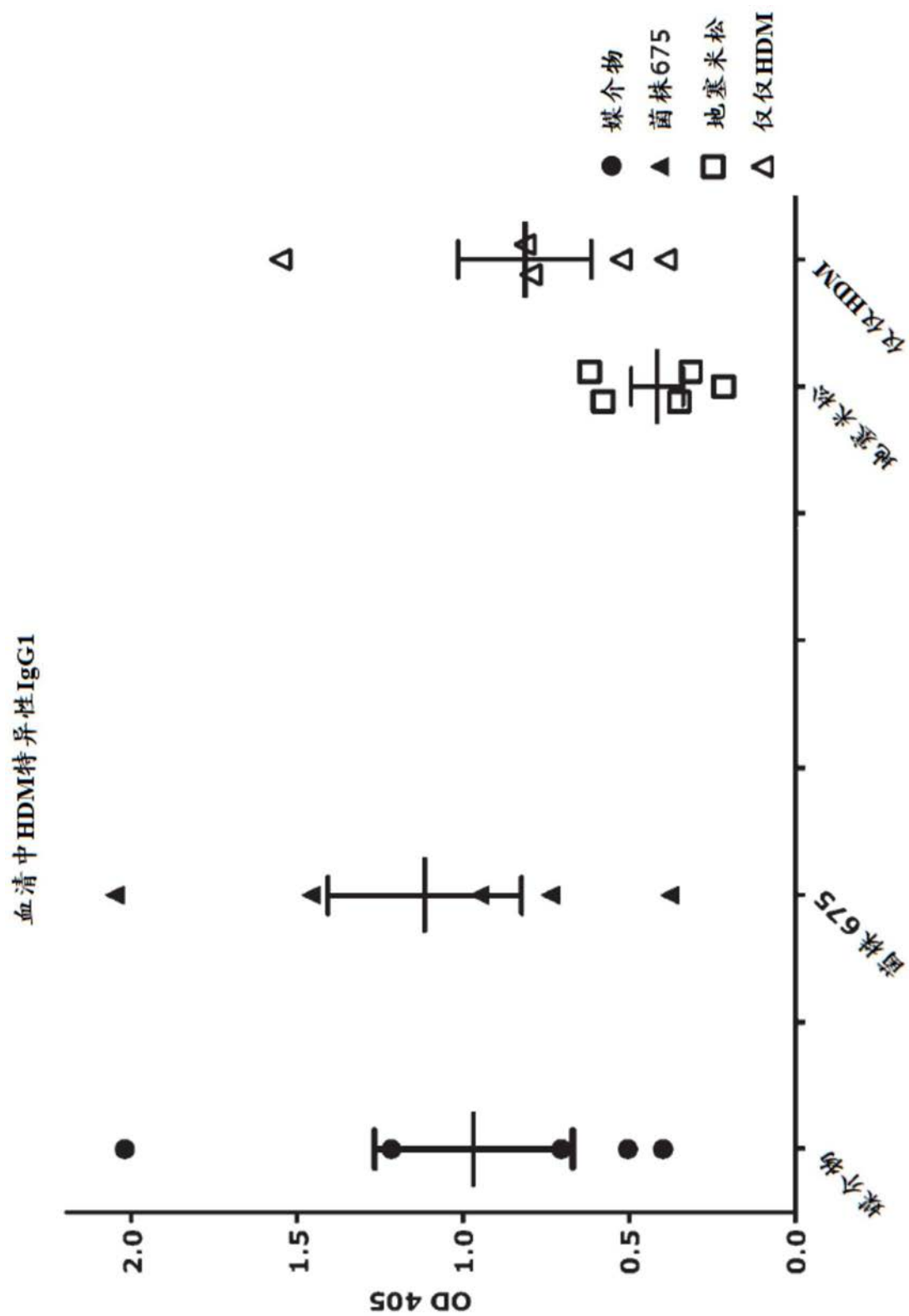


图29

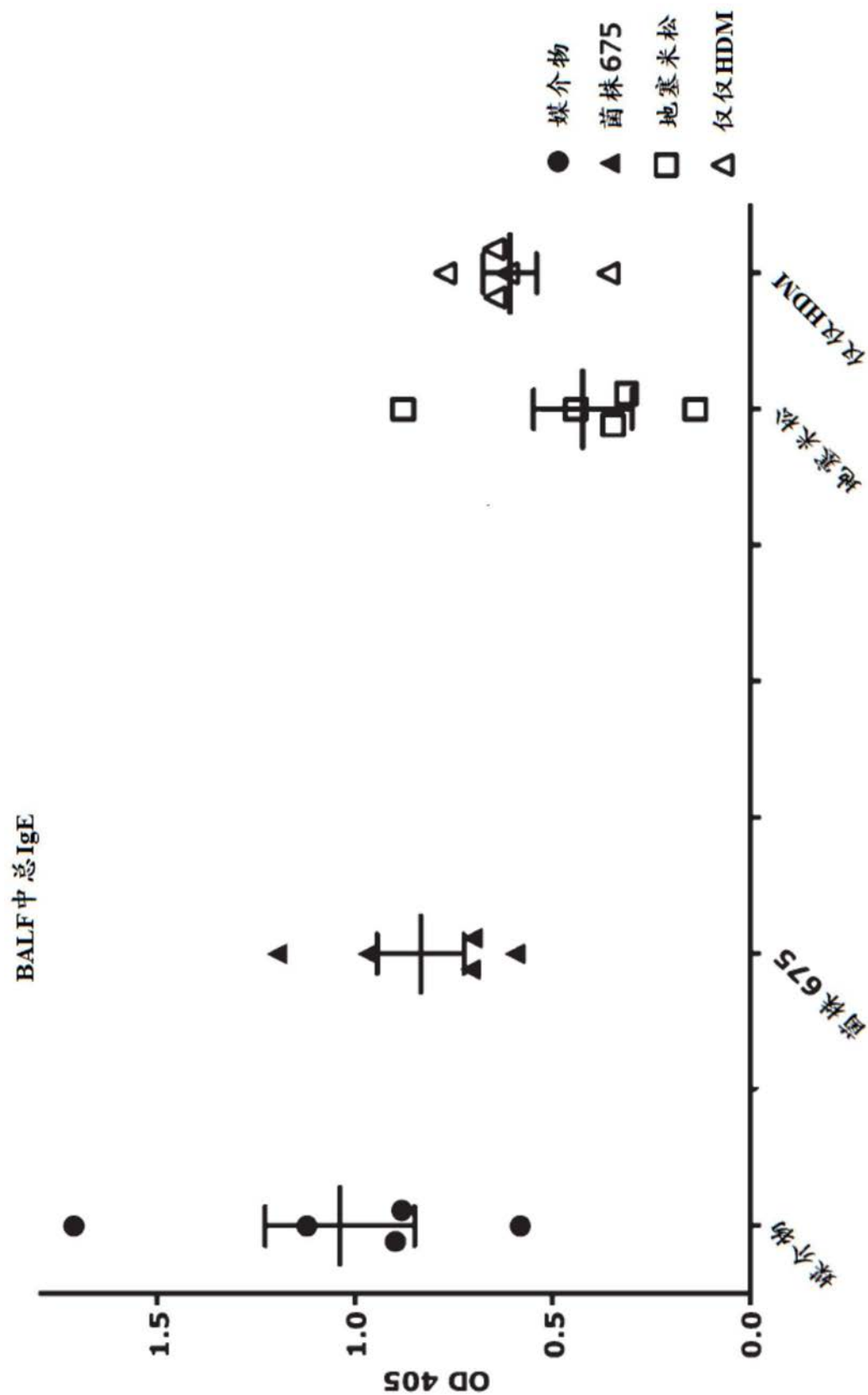


图30

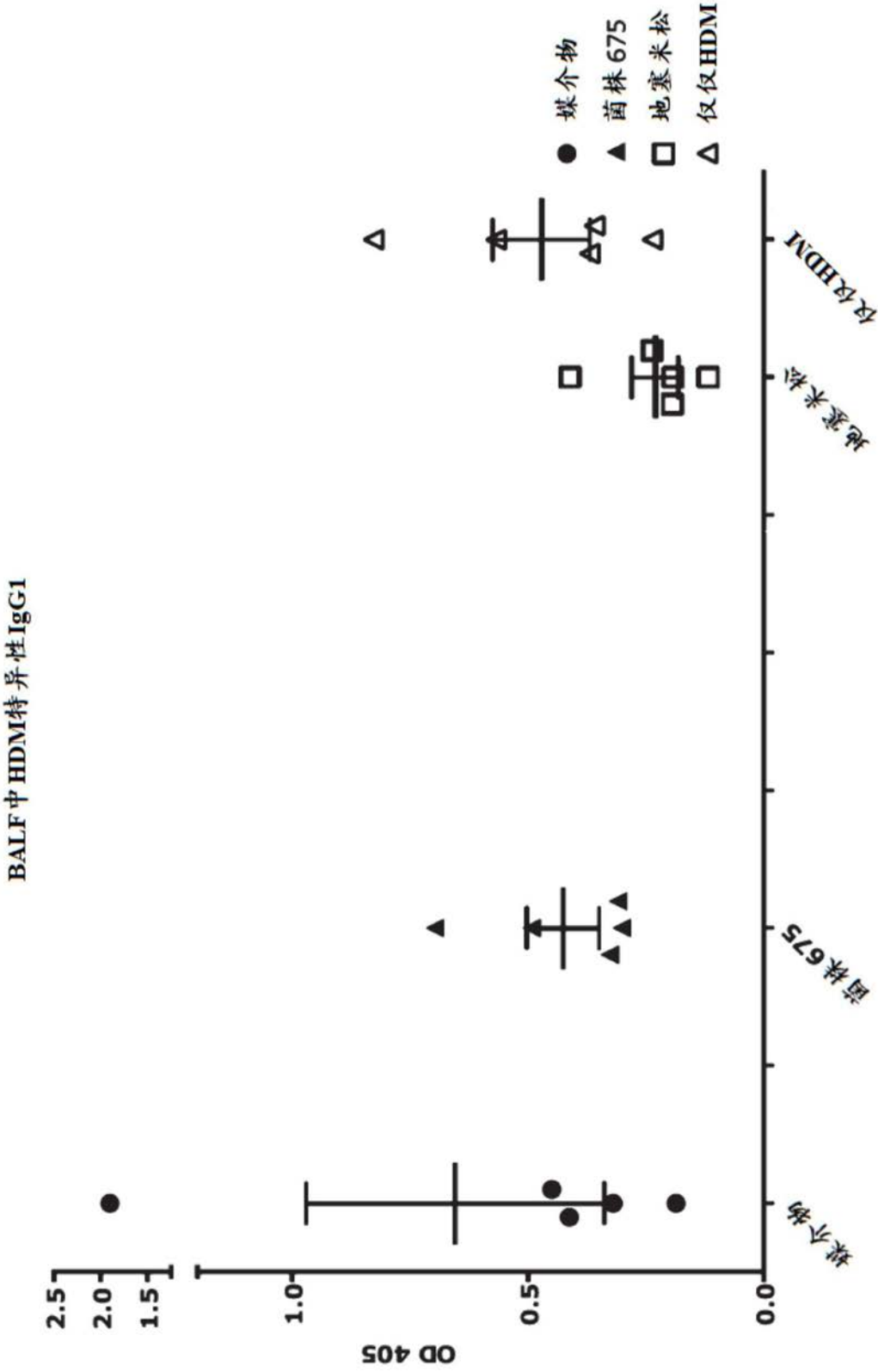


图31

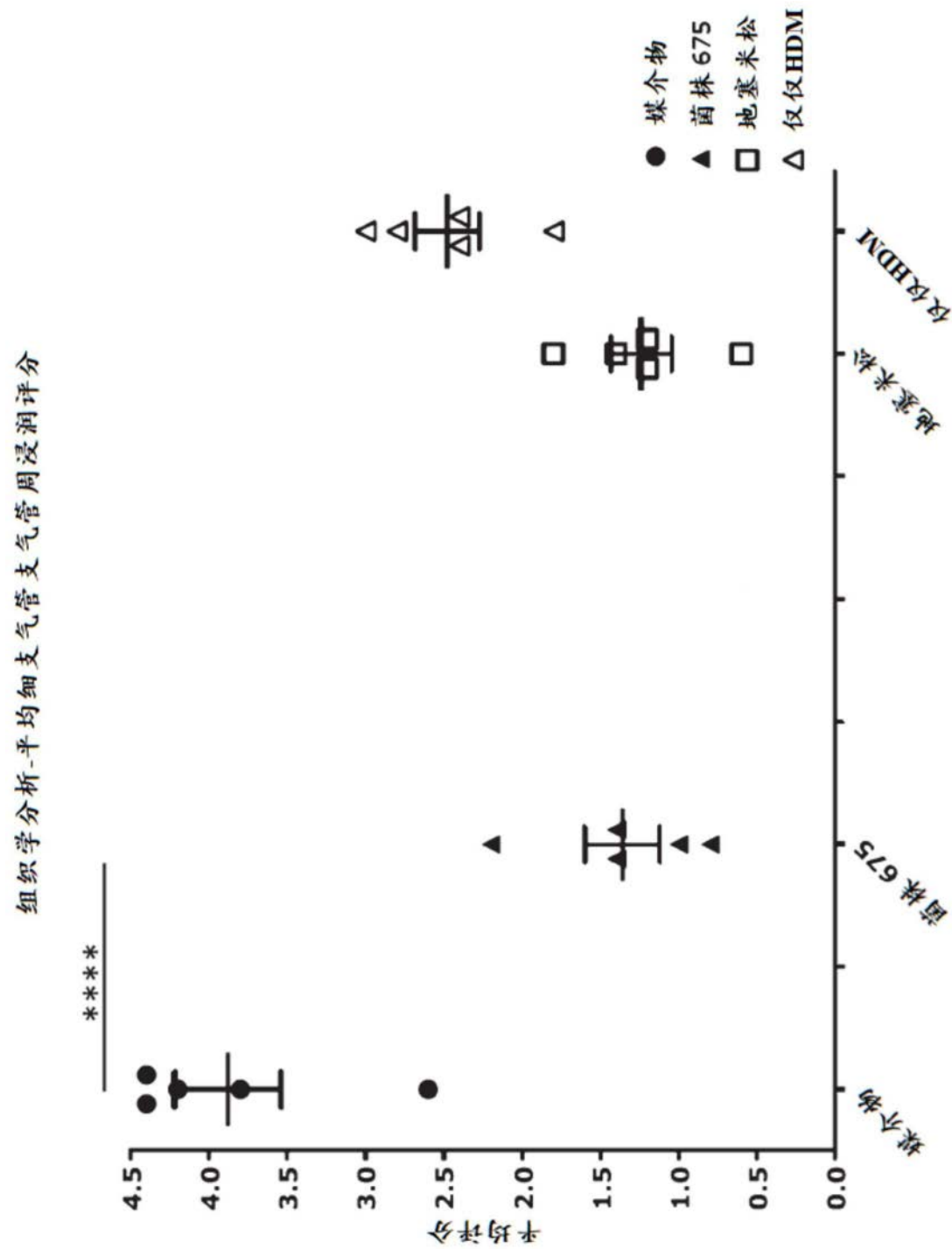


图32

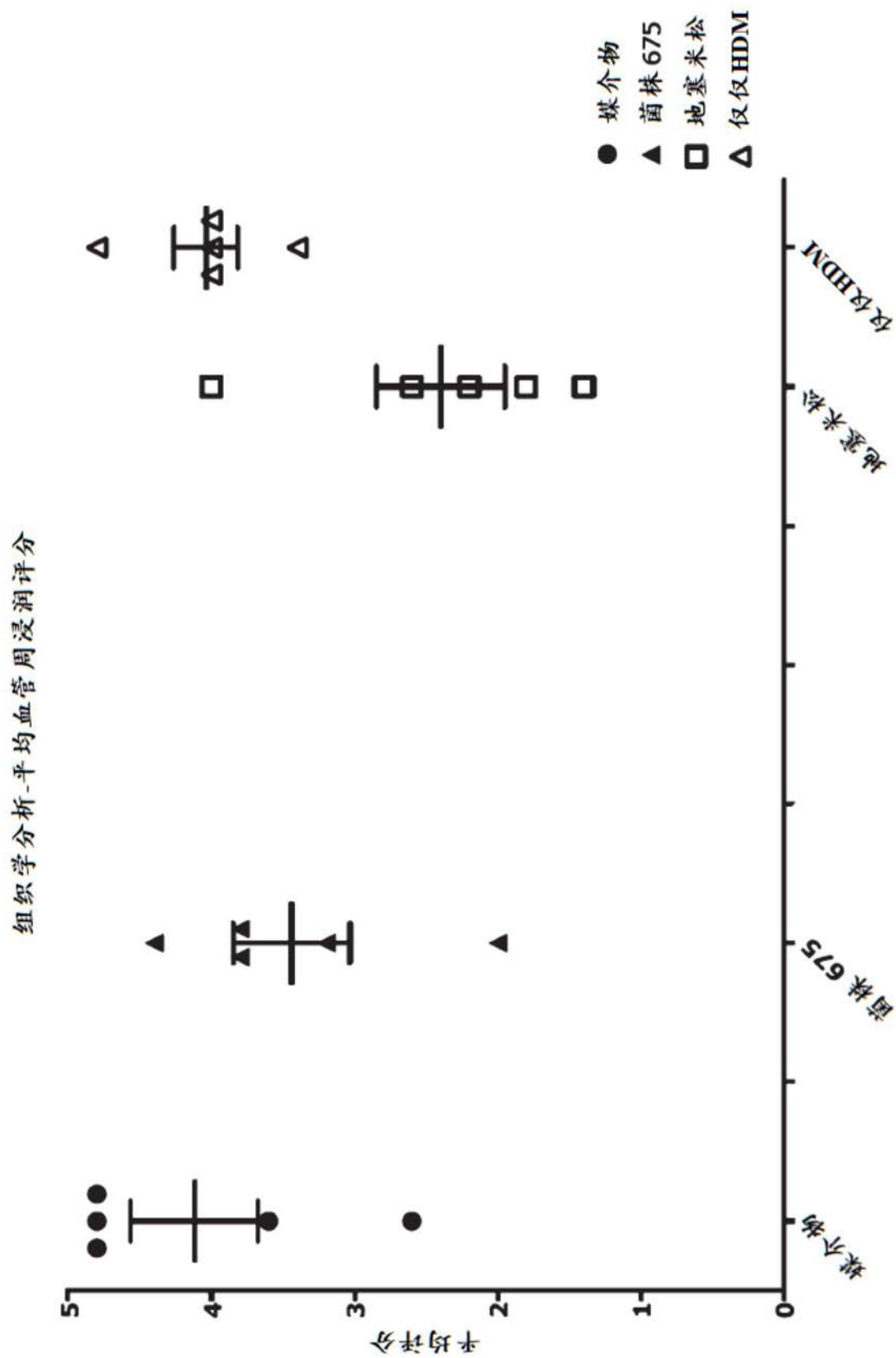


图33

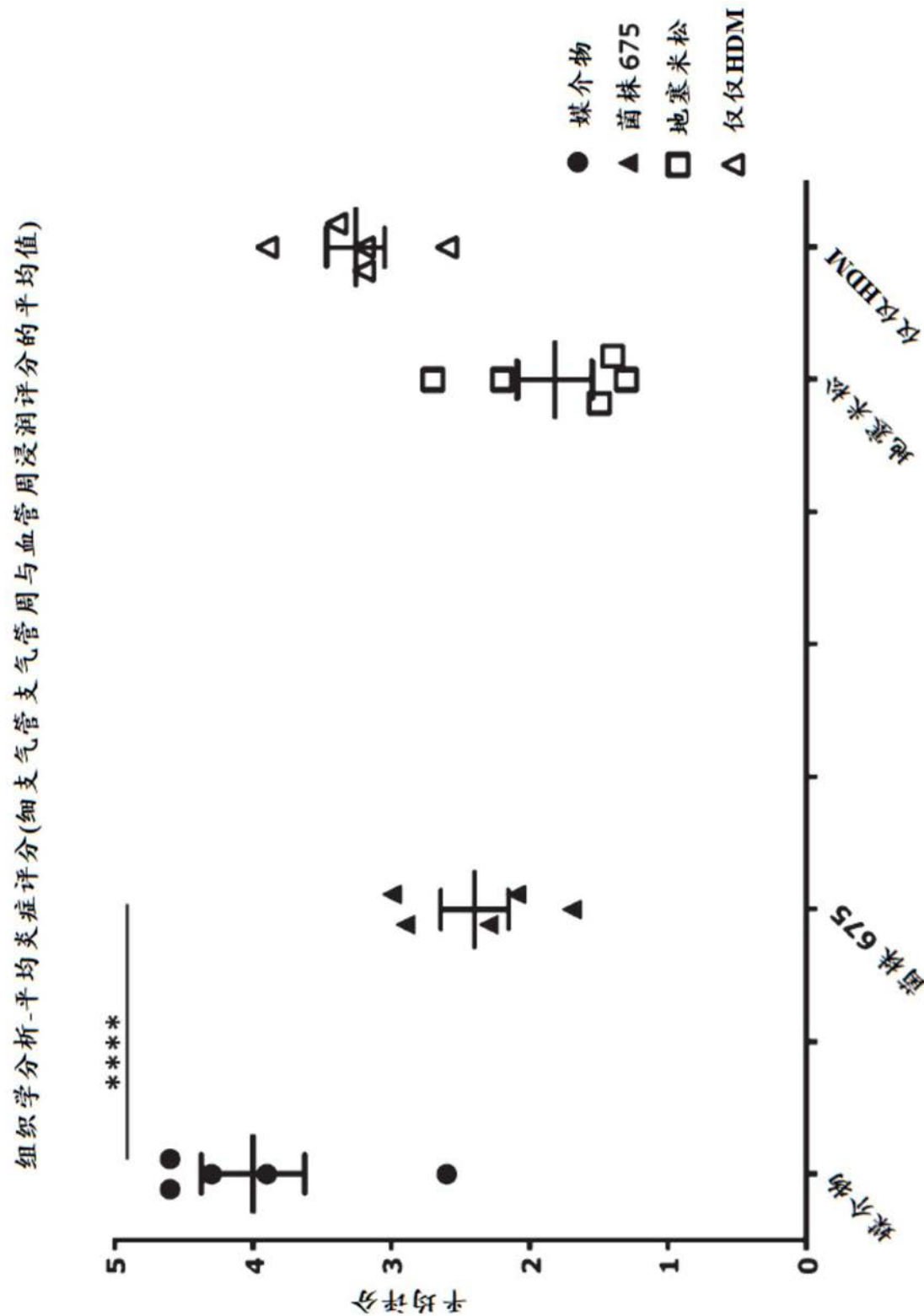


图34

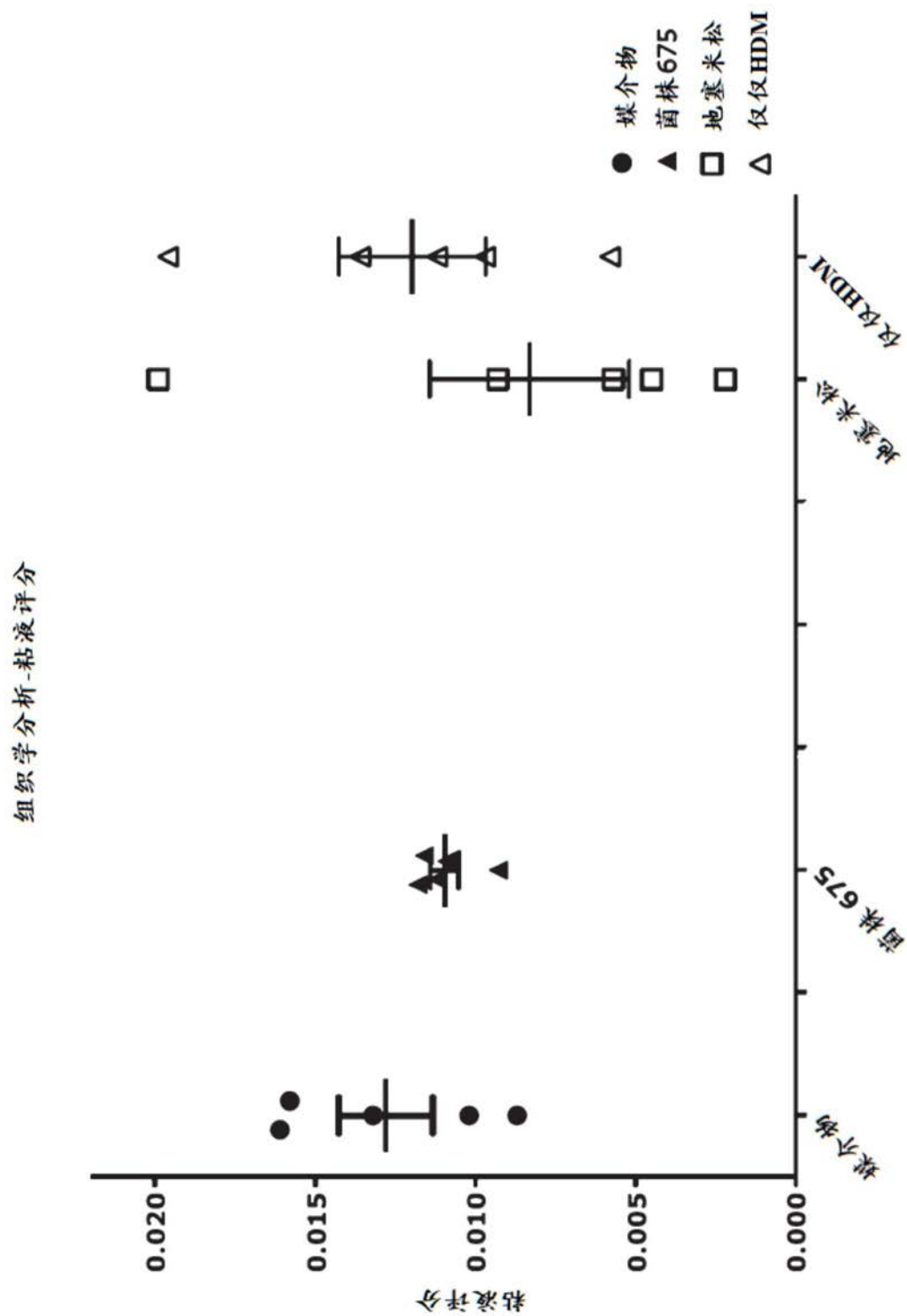


图35

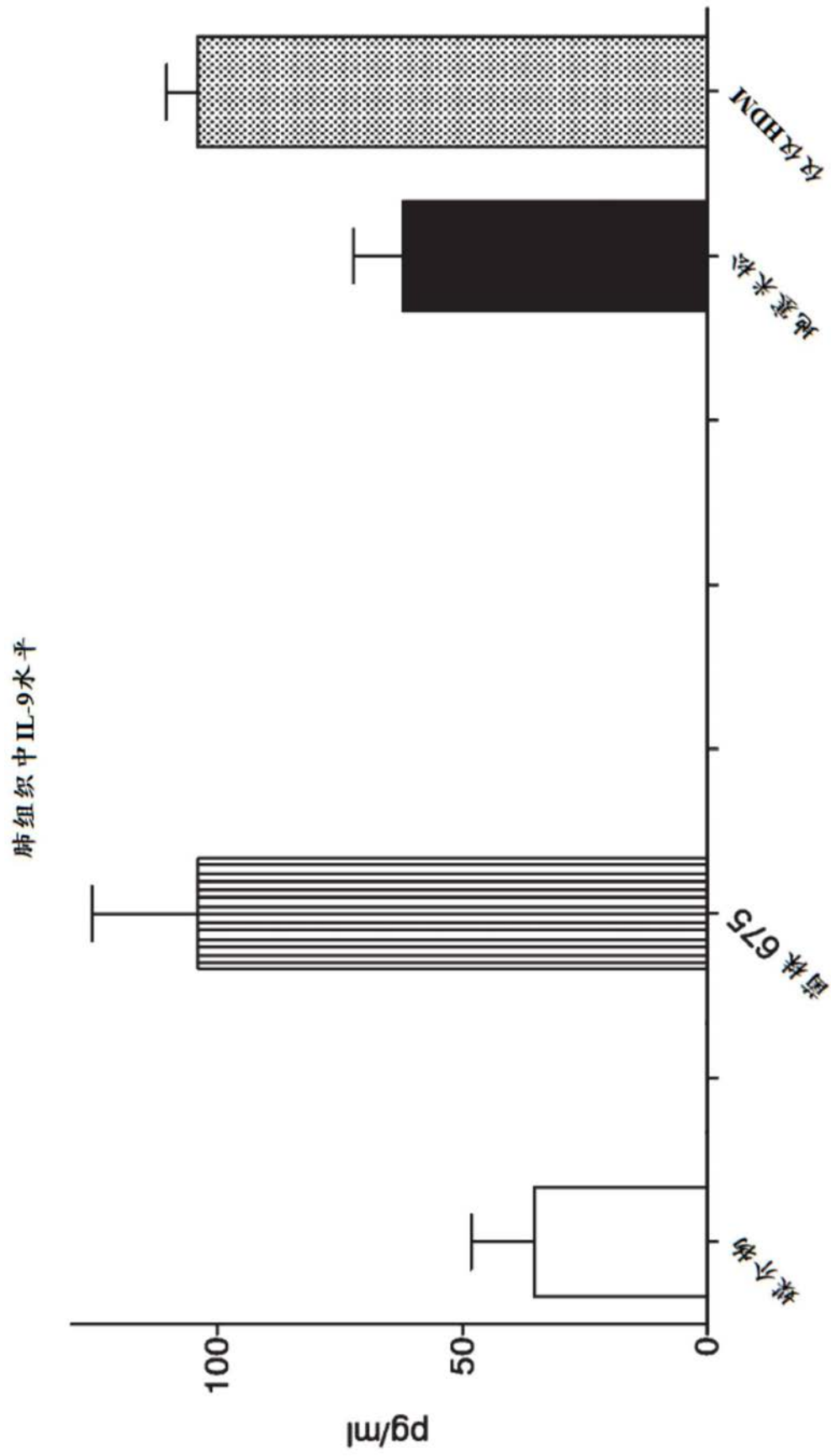


图36



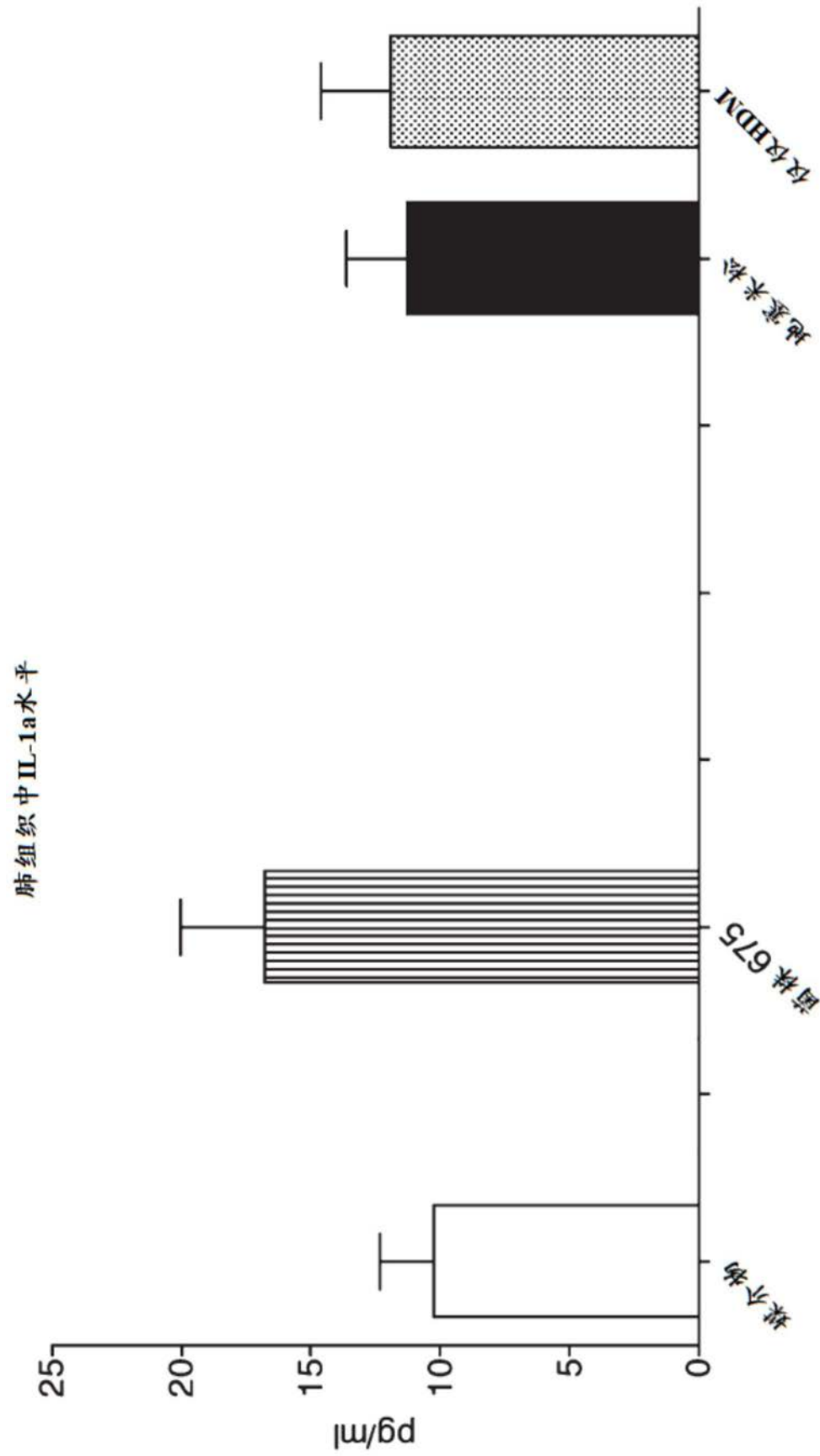


图37

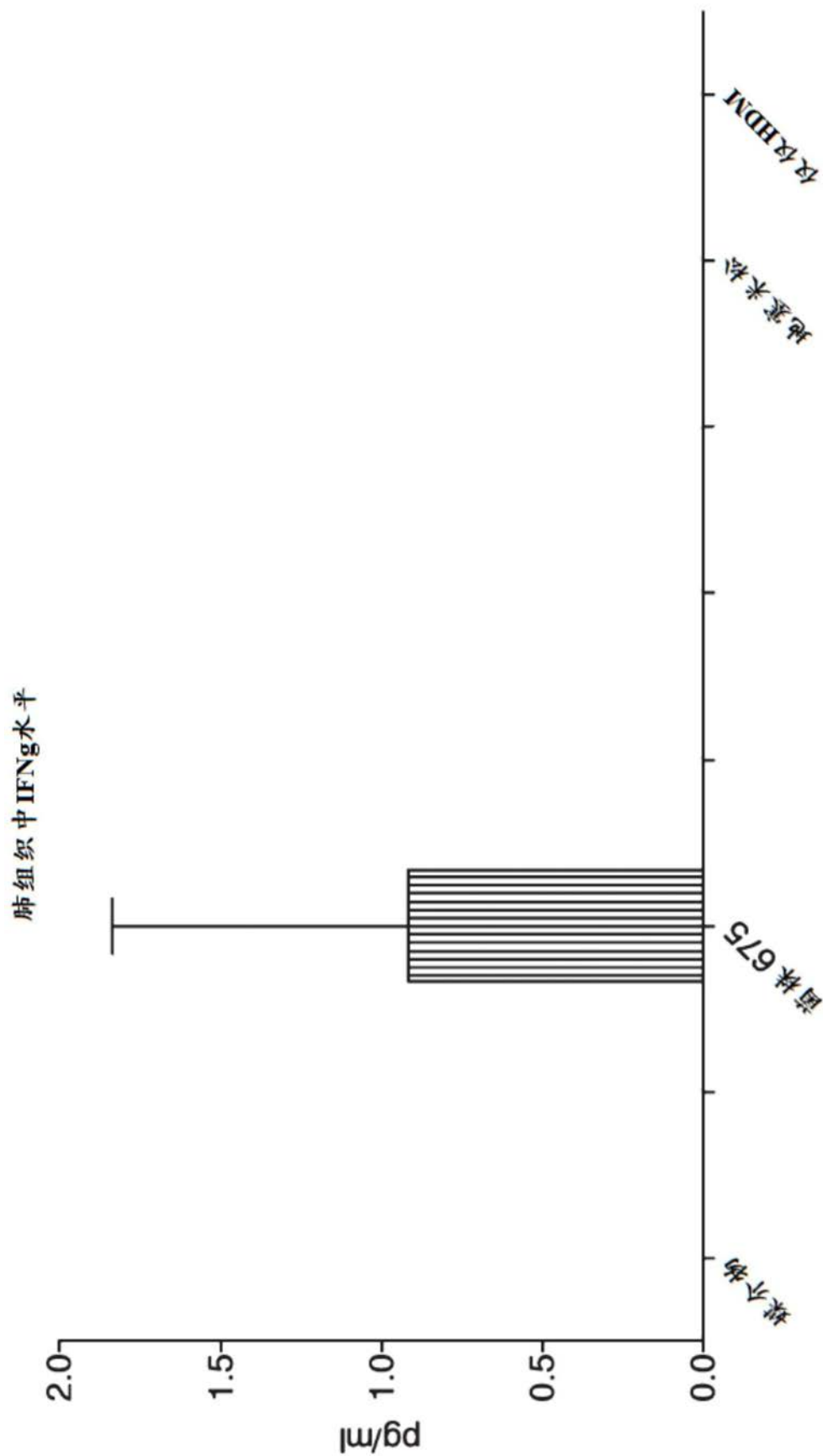


图38

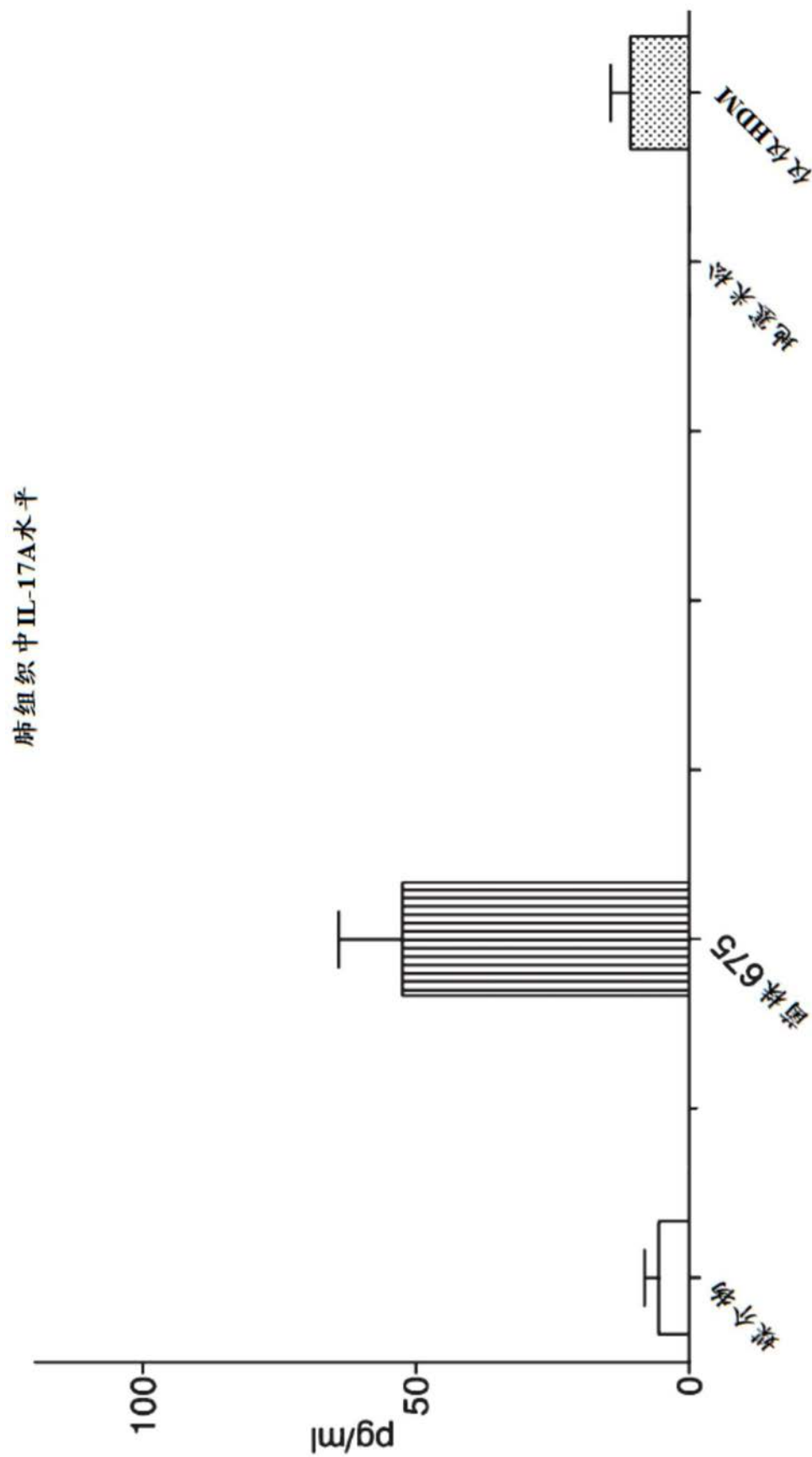


图39

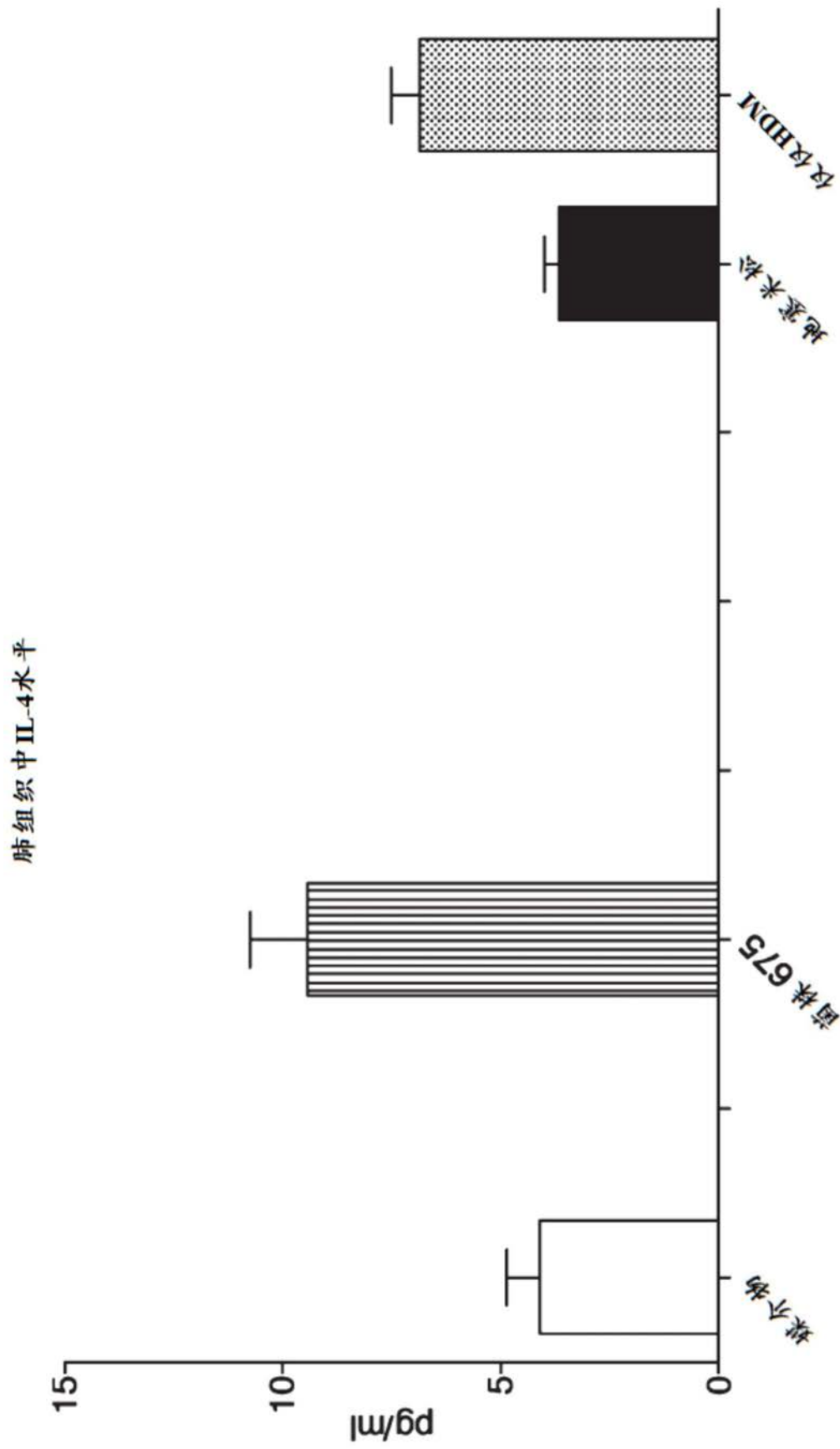


图40

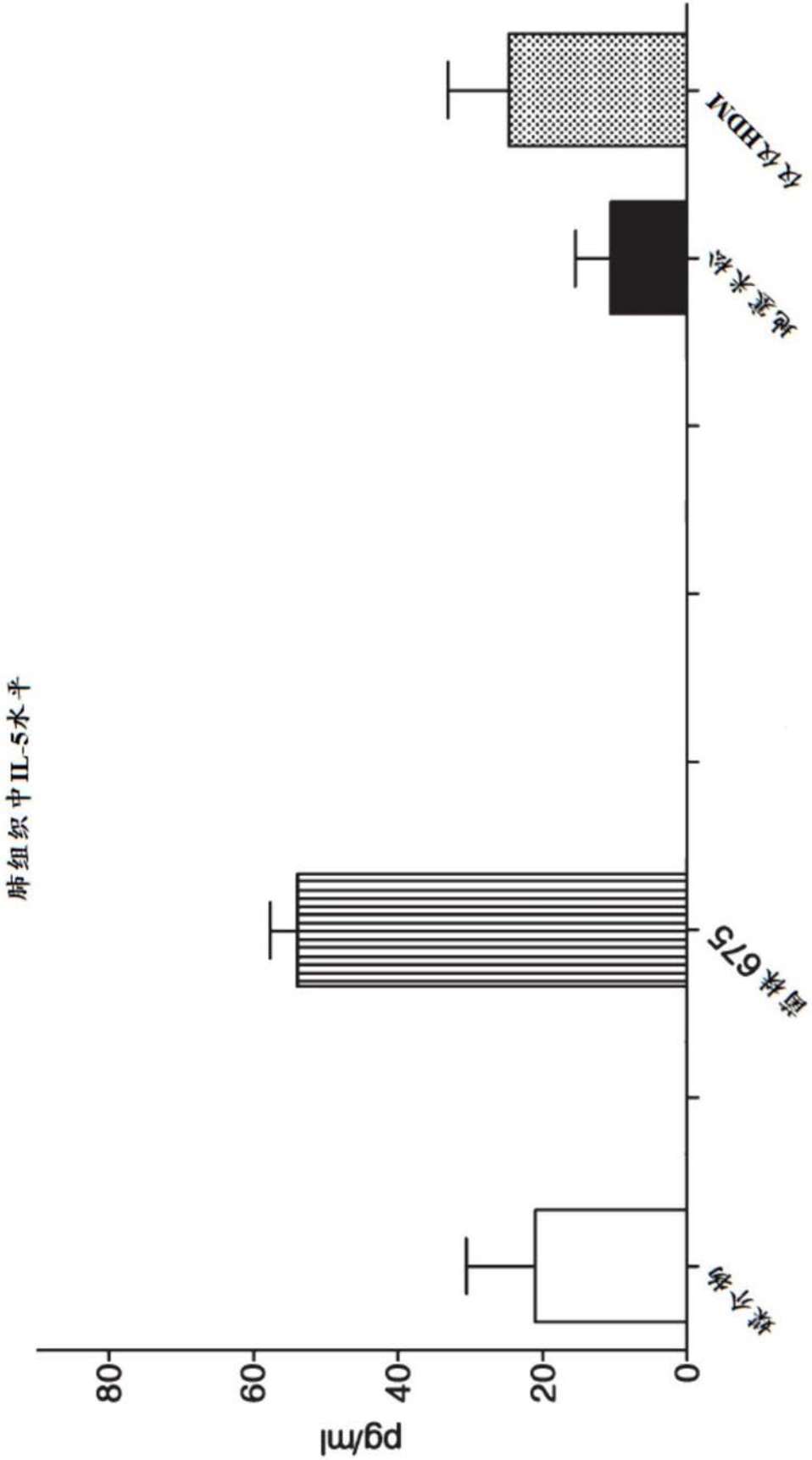


图41

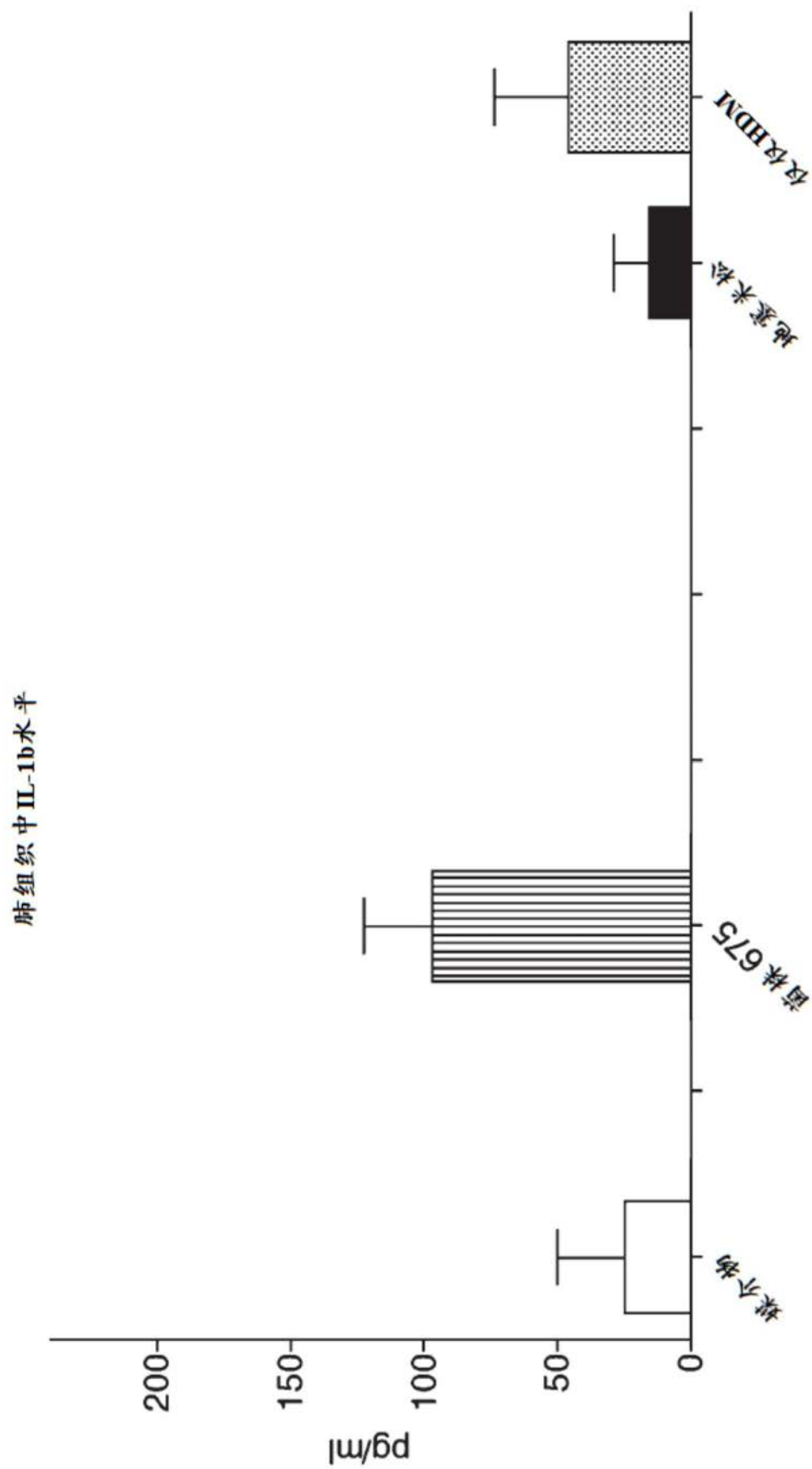


图42

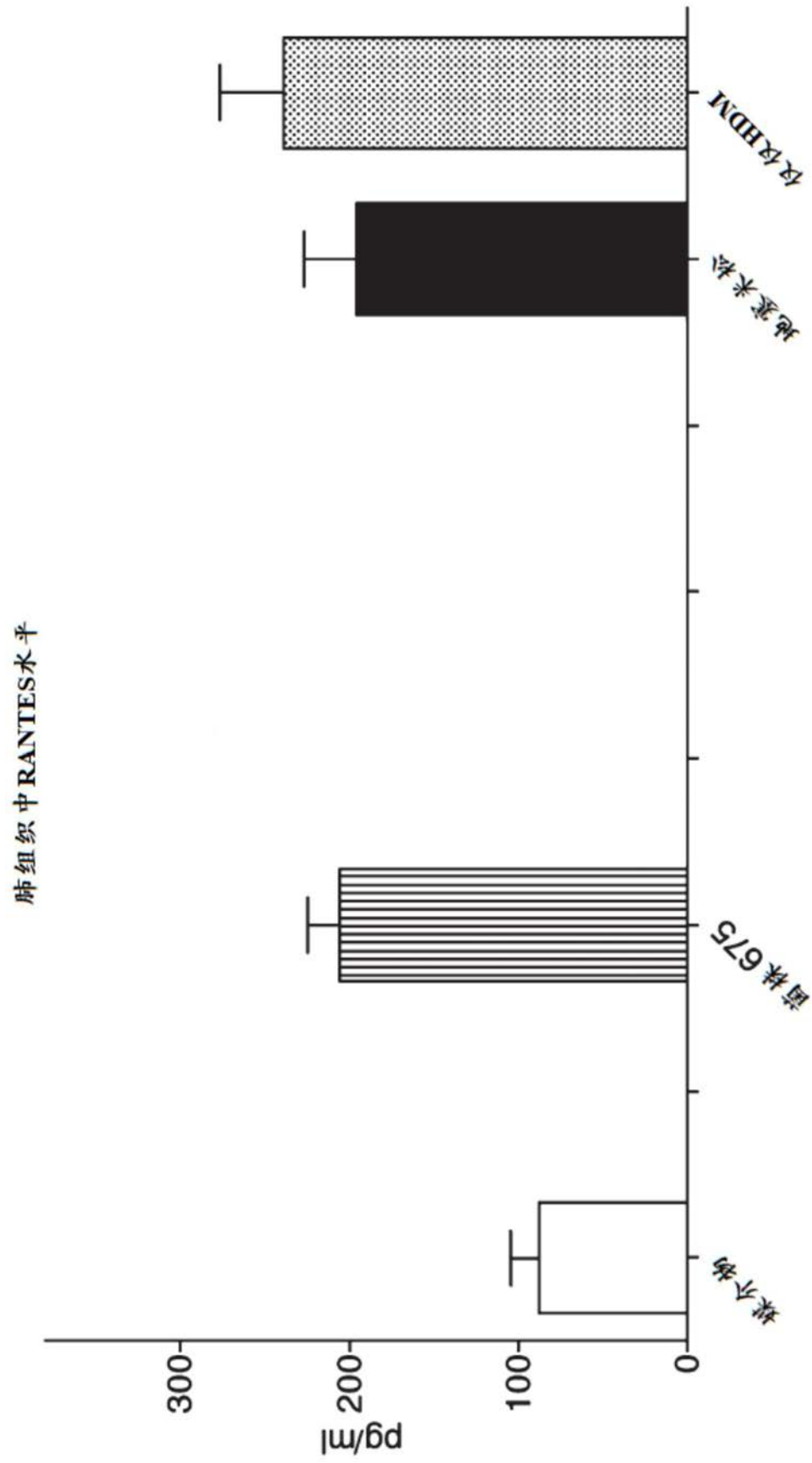


图43

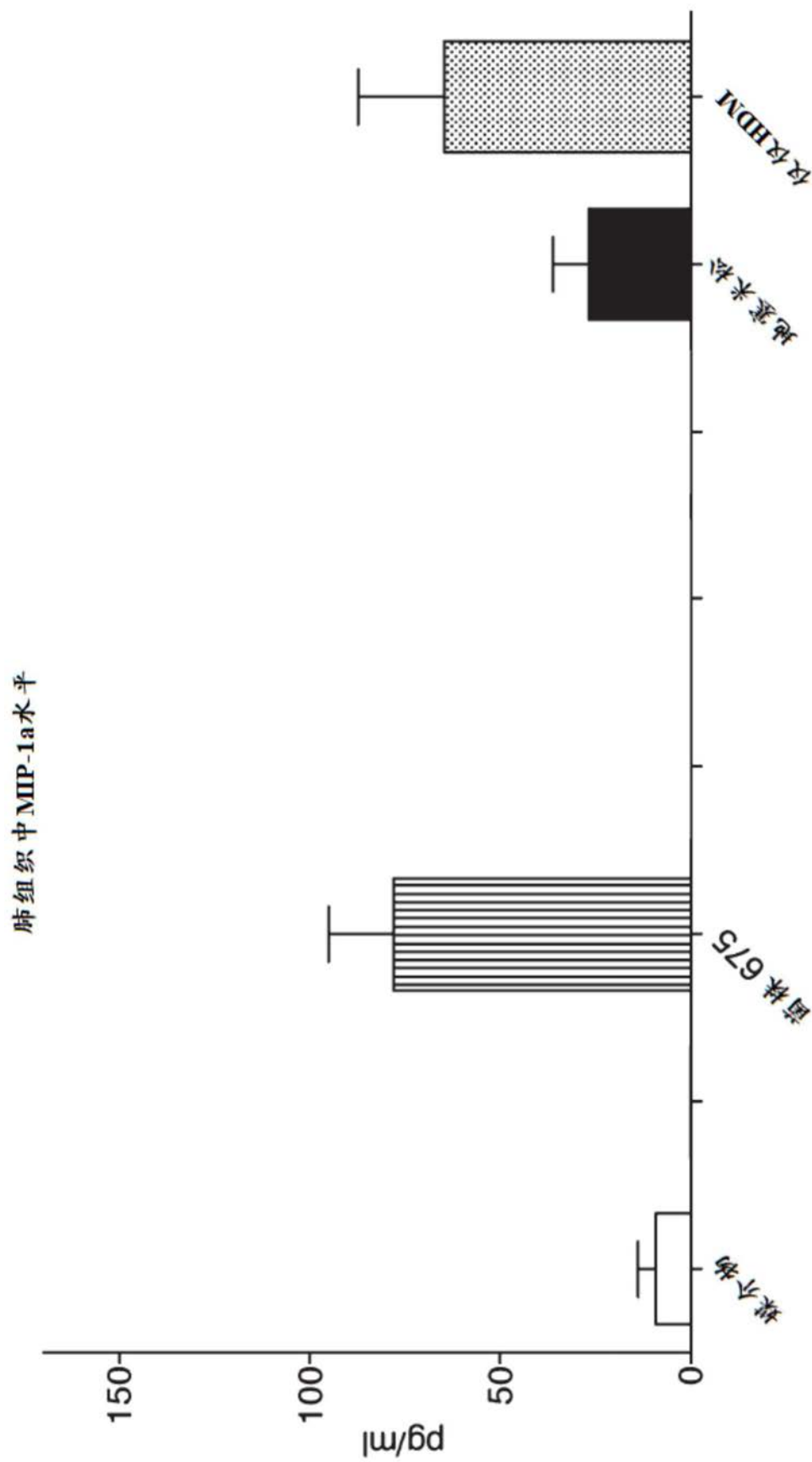


图44



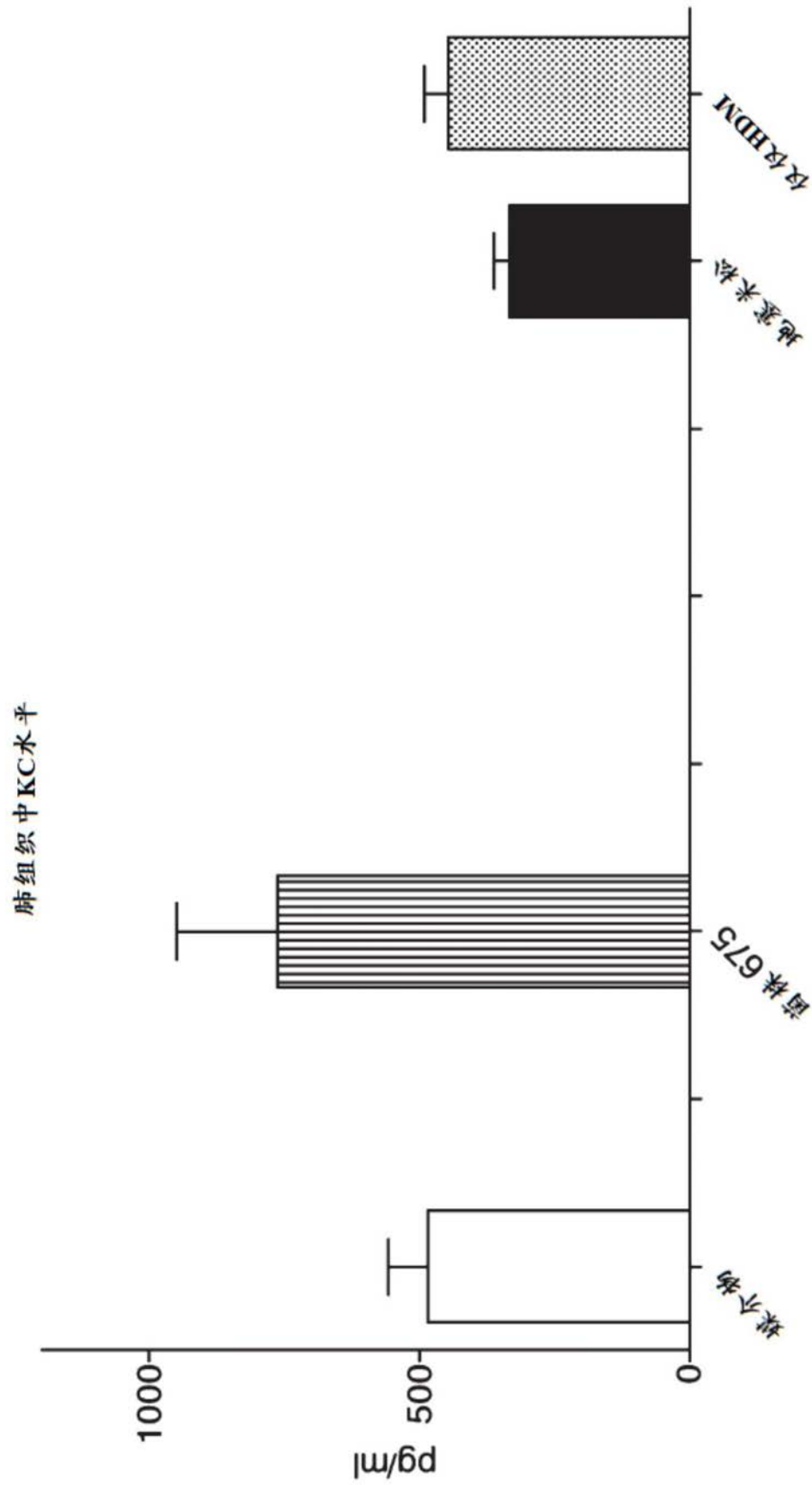


图45

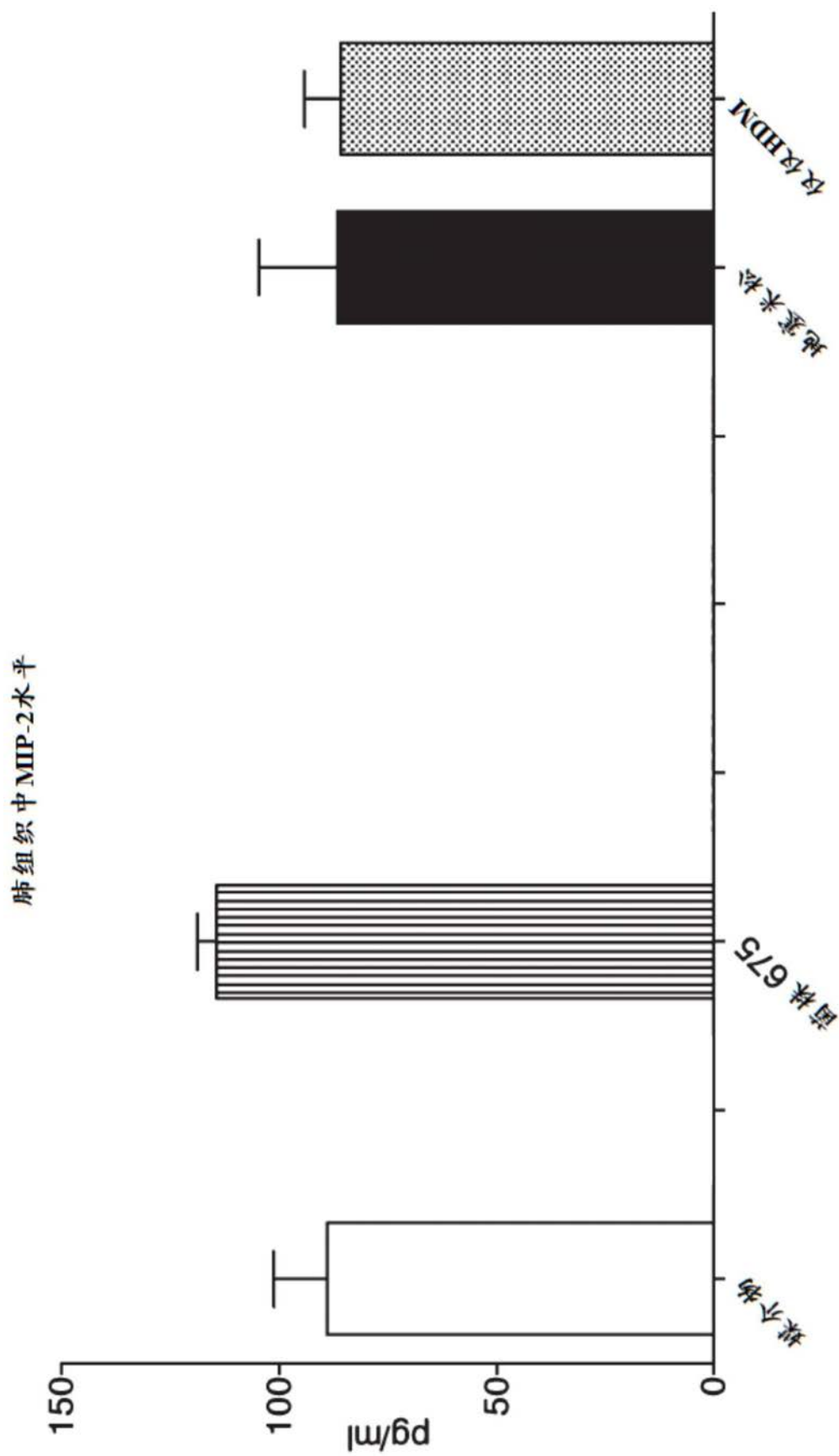


图46

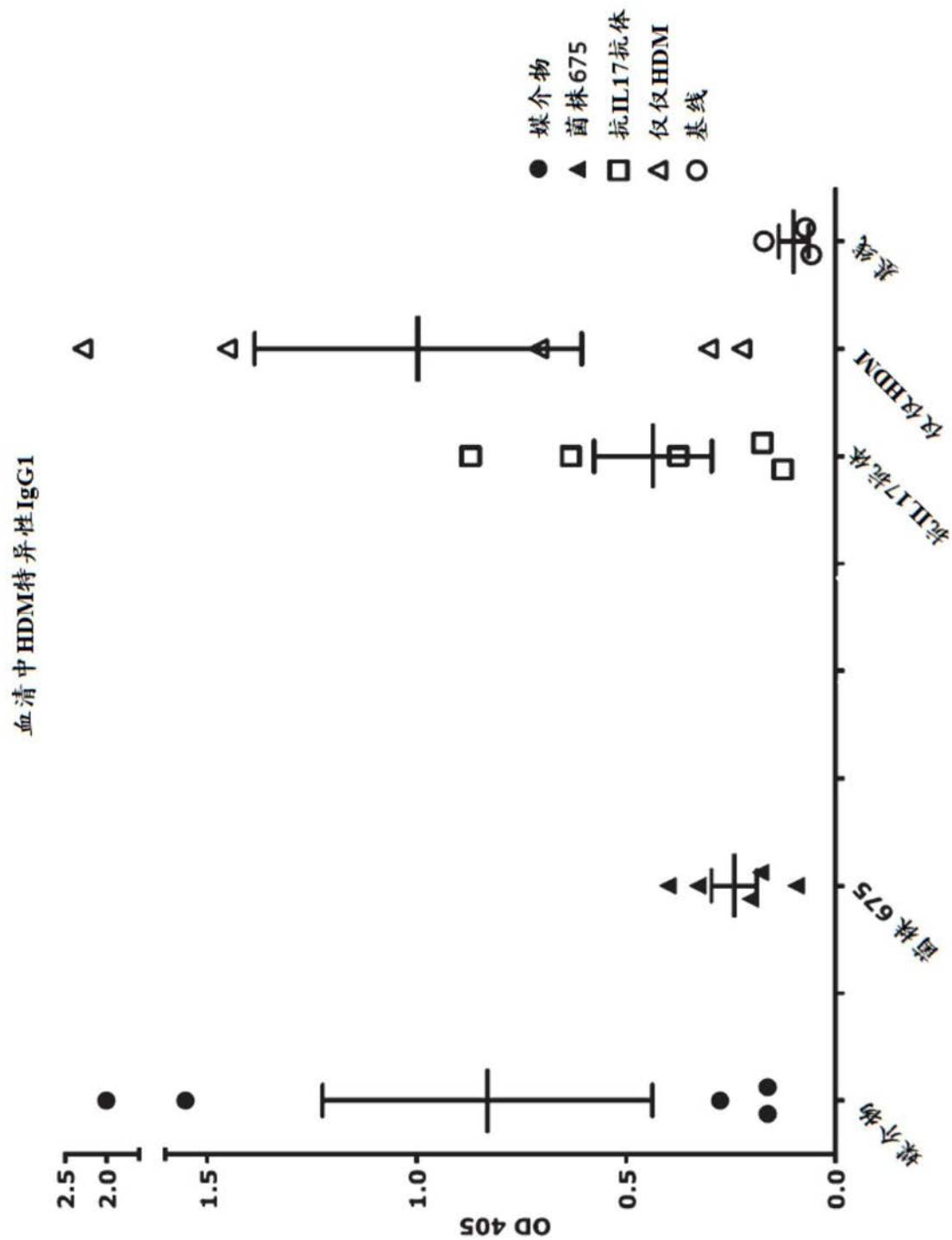


图47

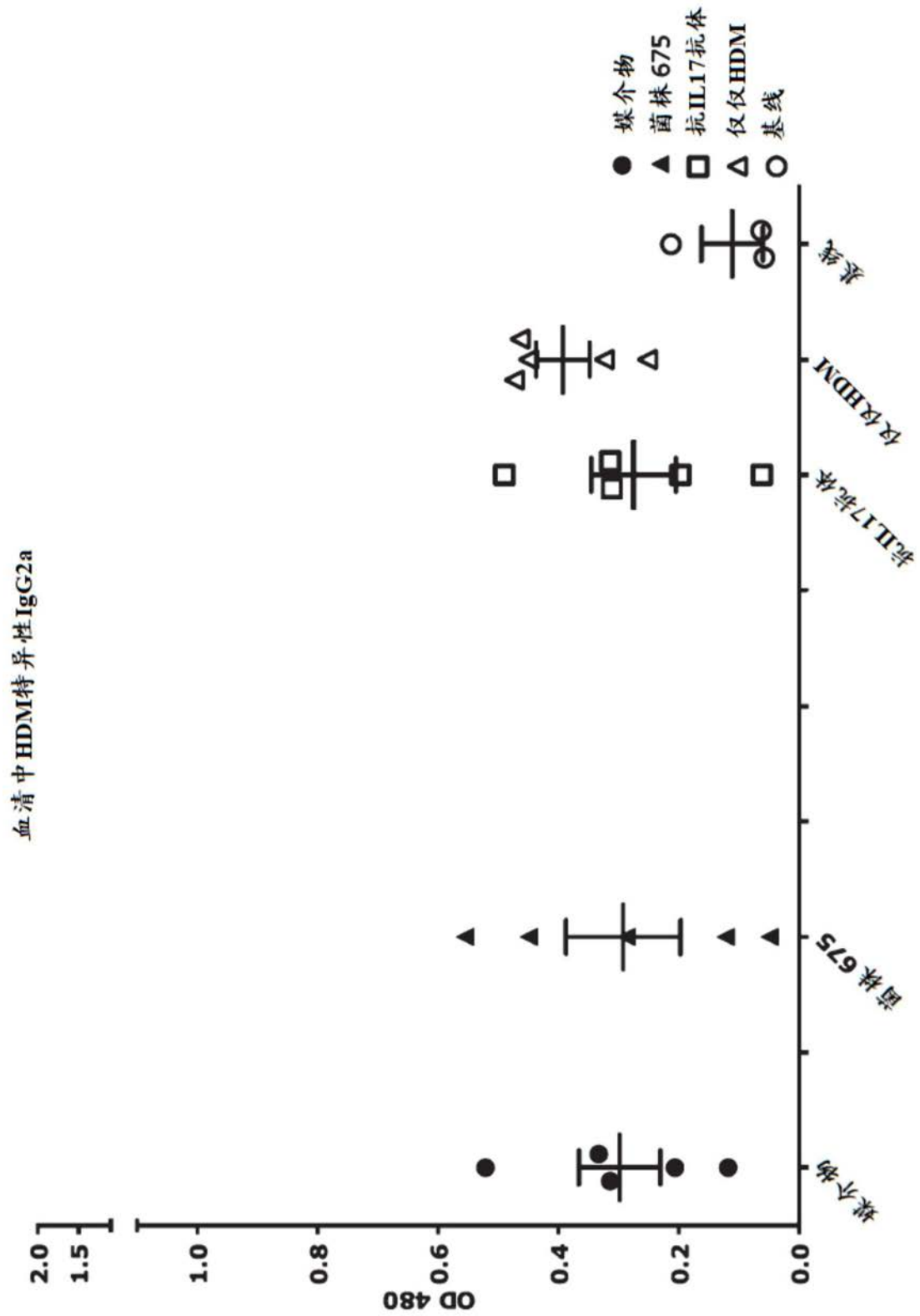


图48

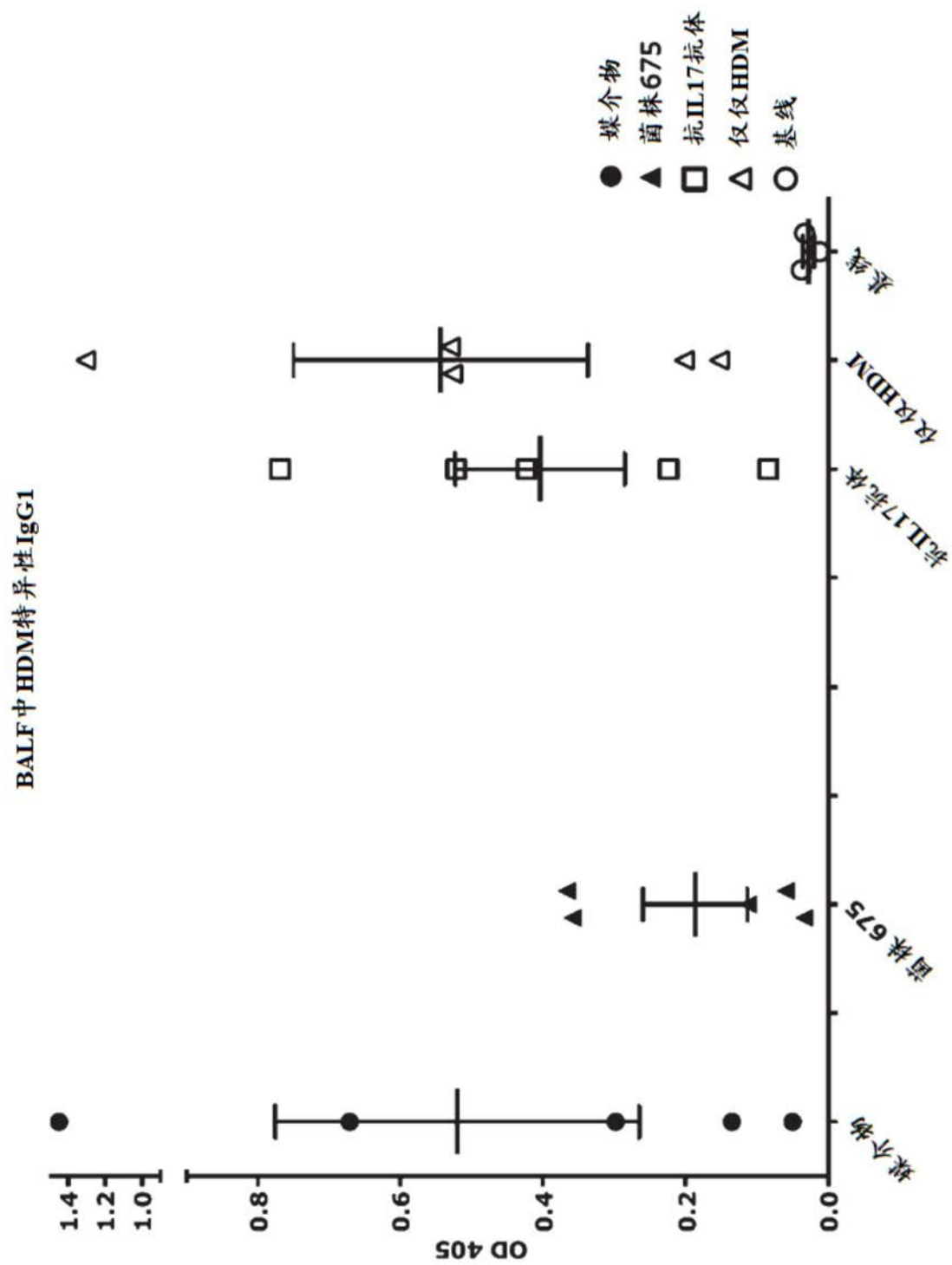


图49

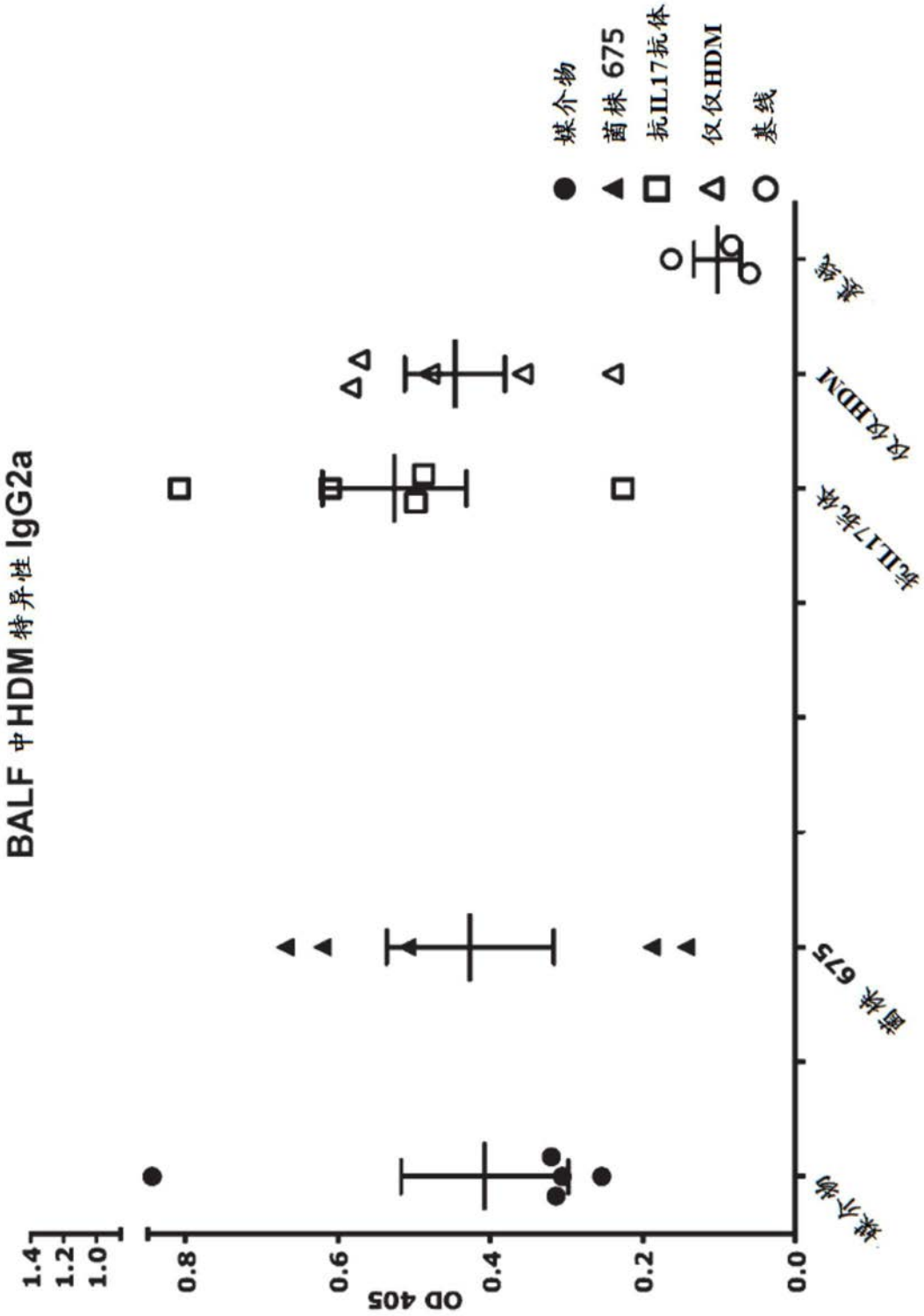


图50

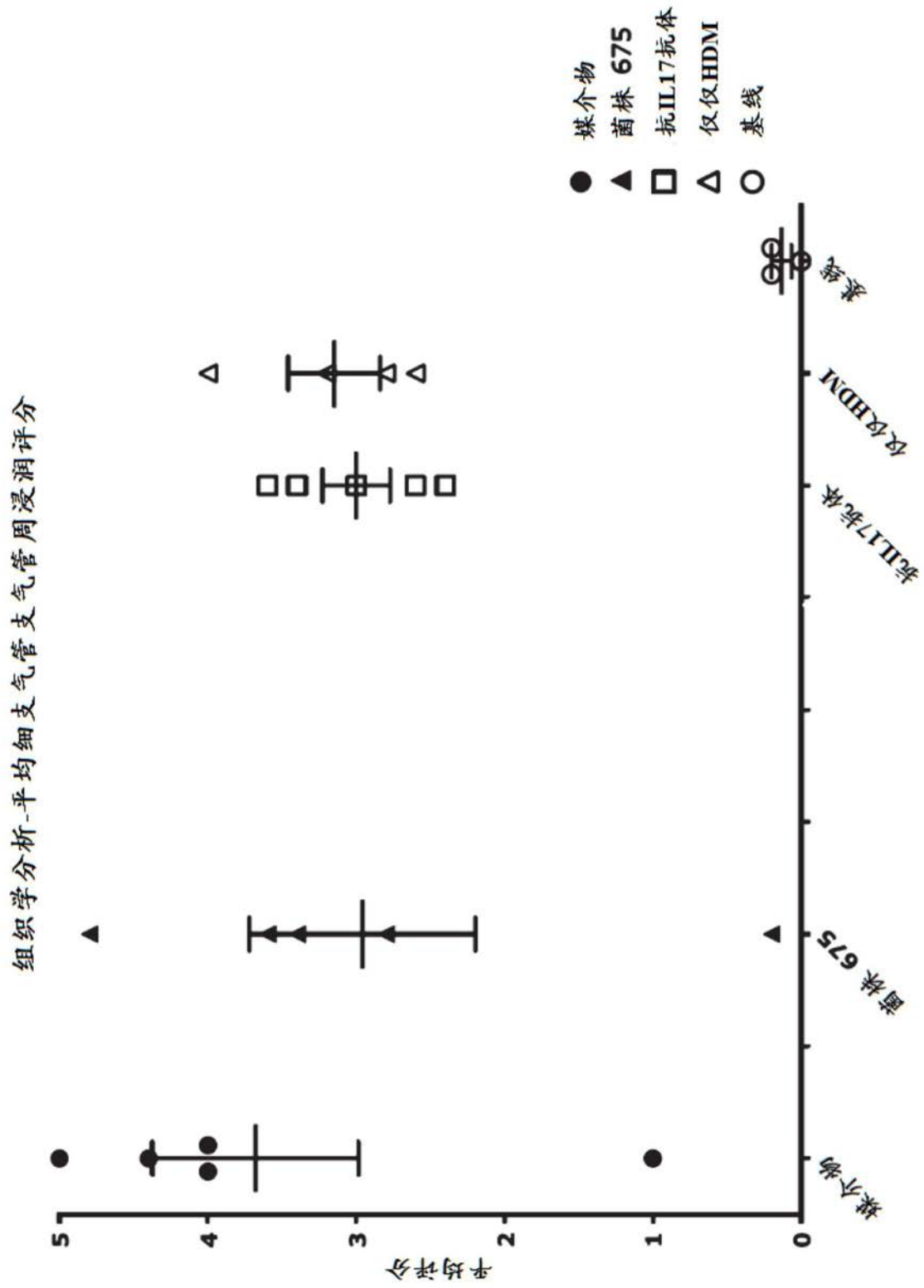


图51

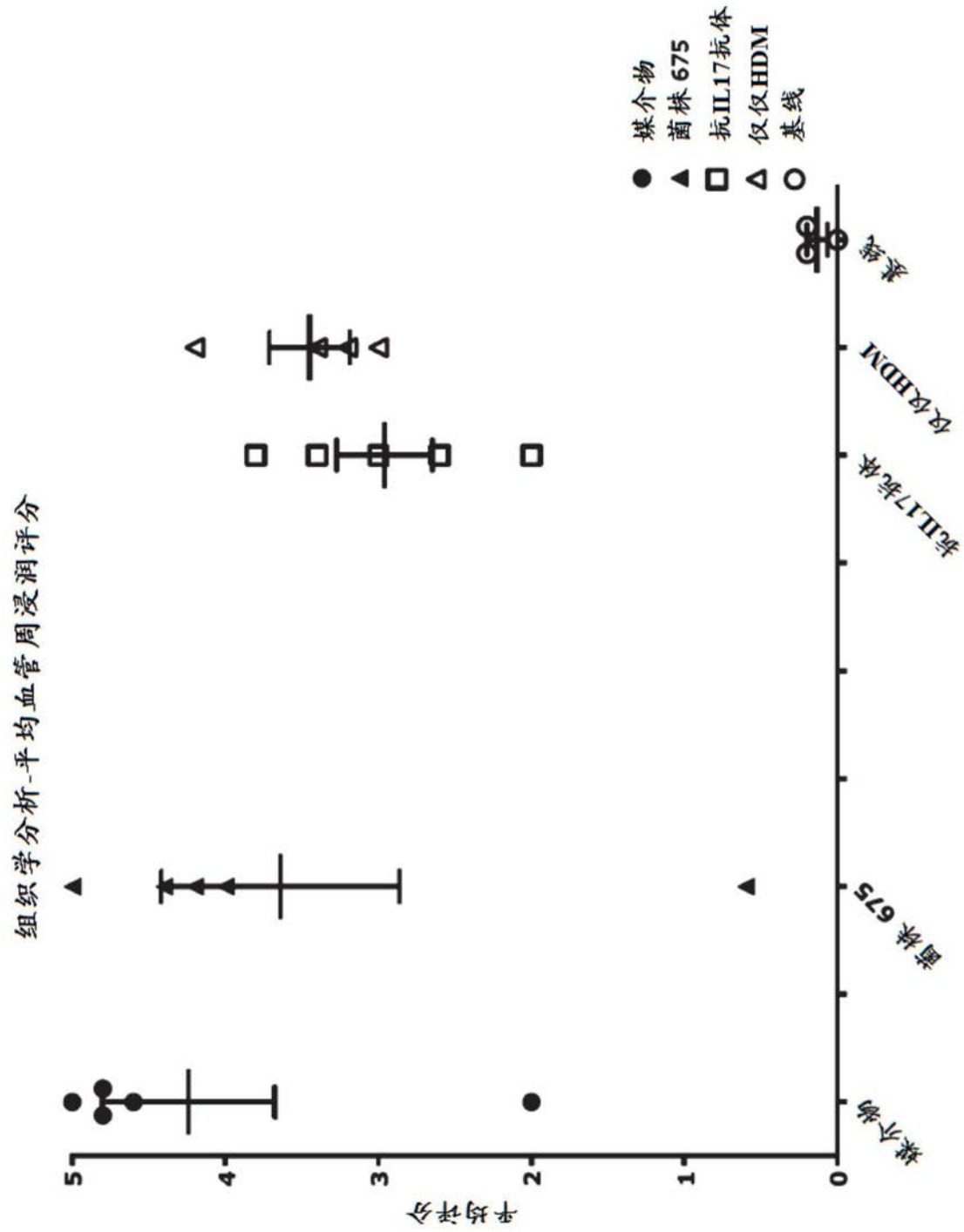


图52



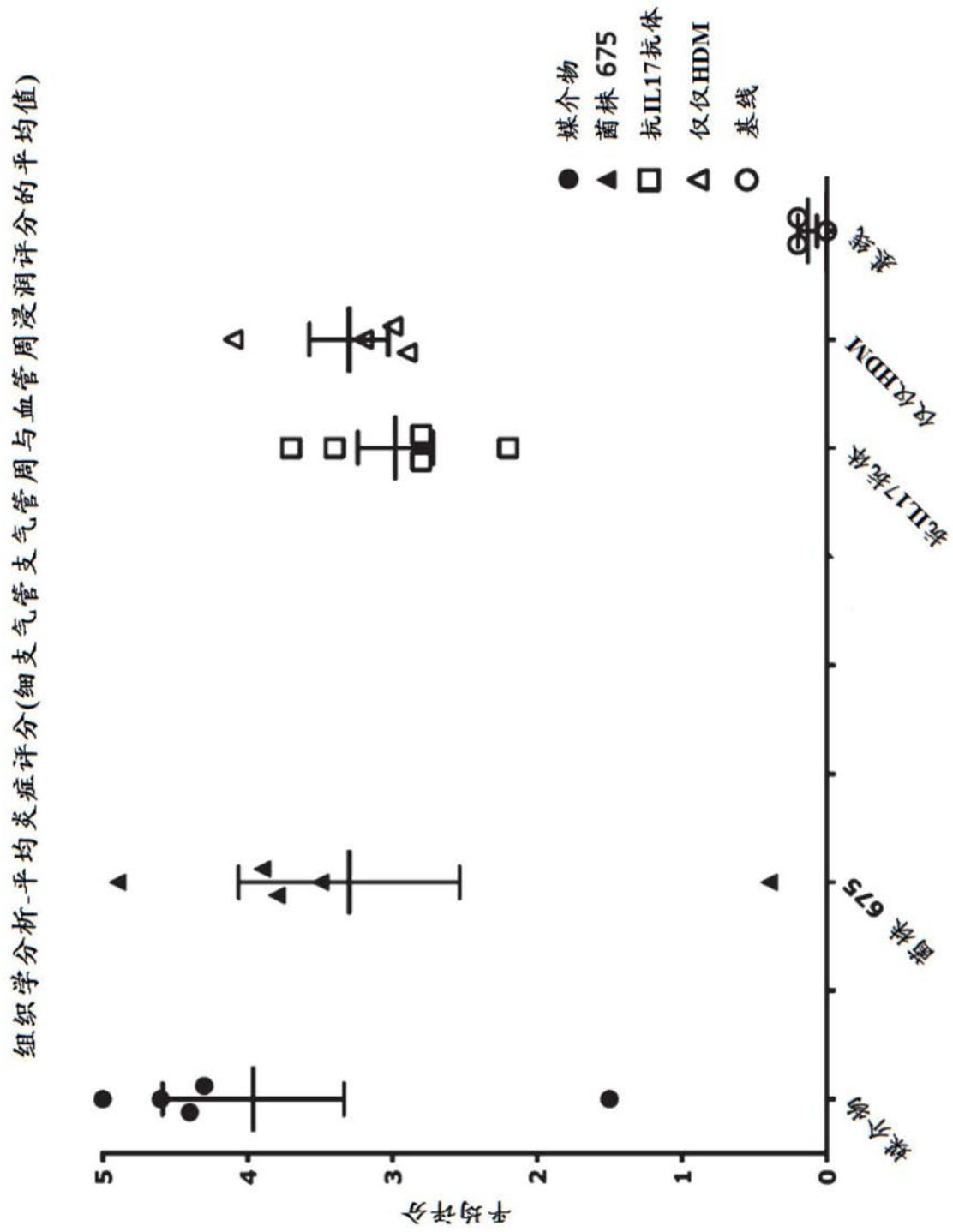


图53

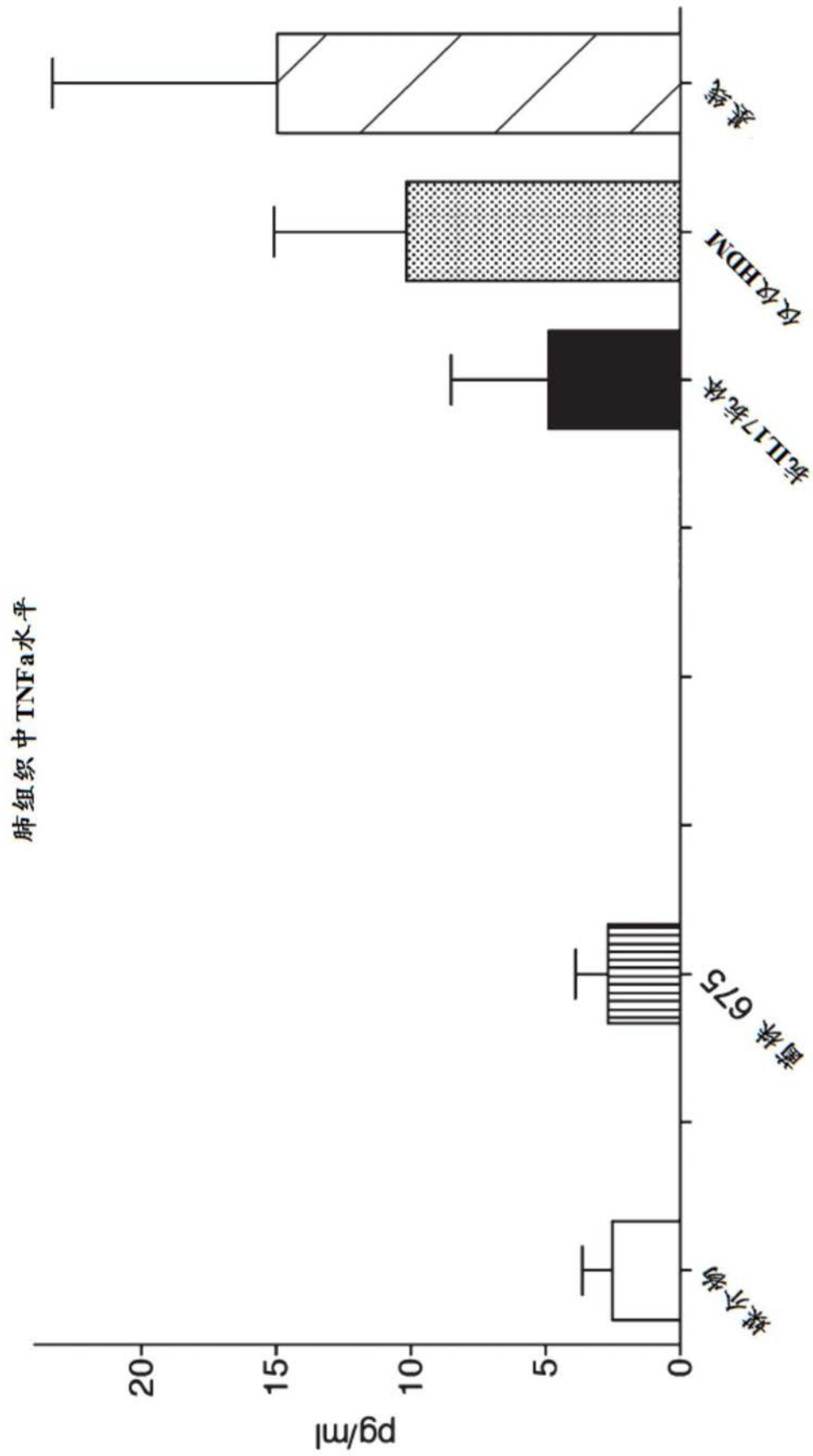


图54

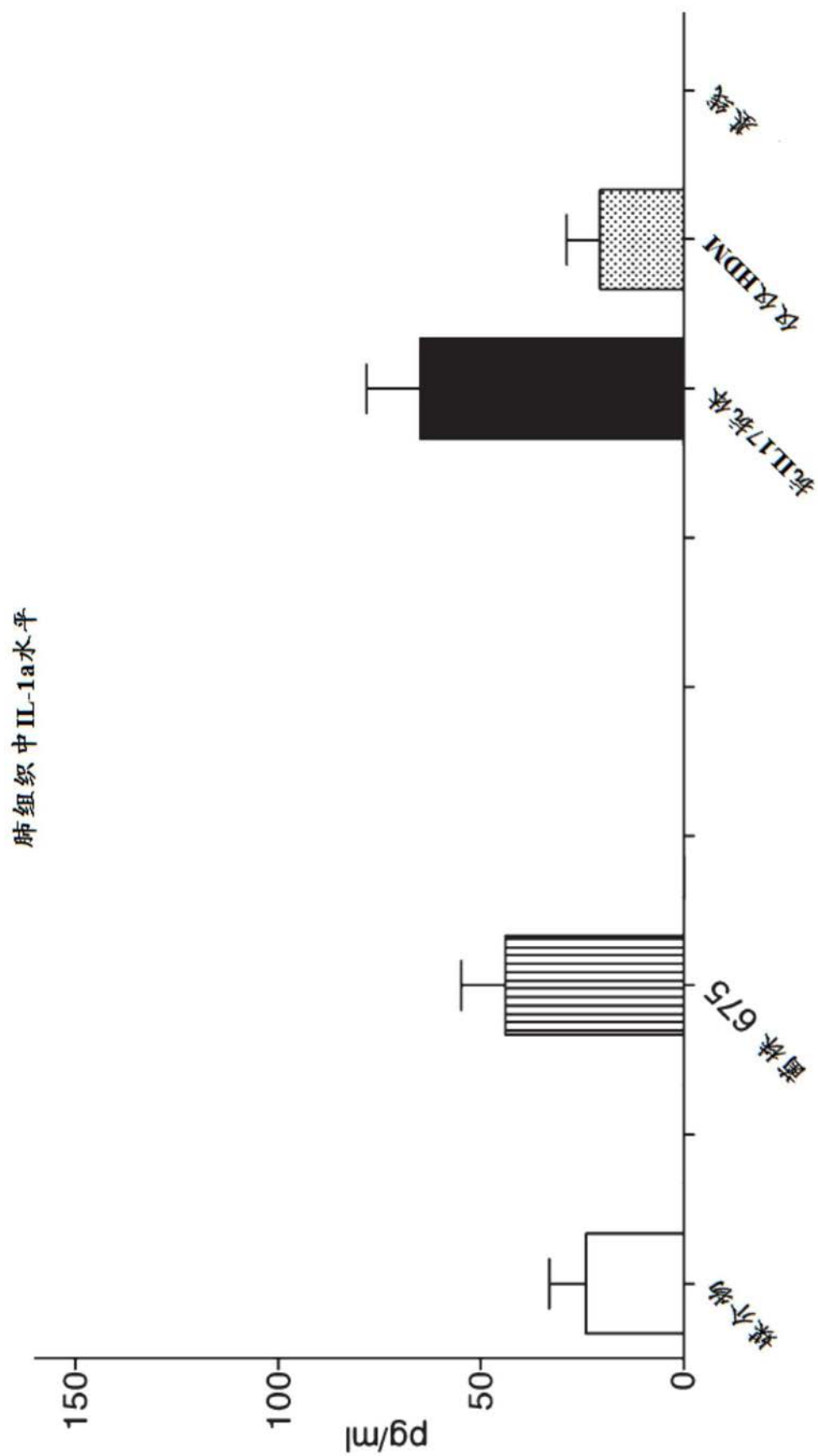


图55

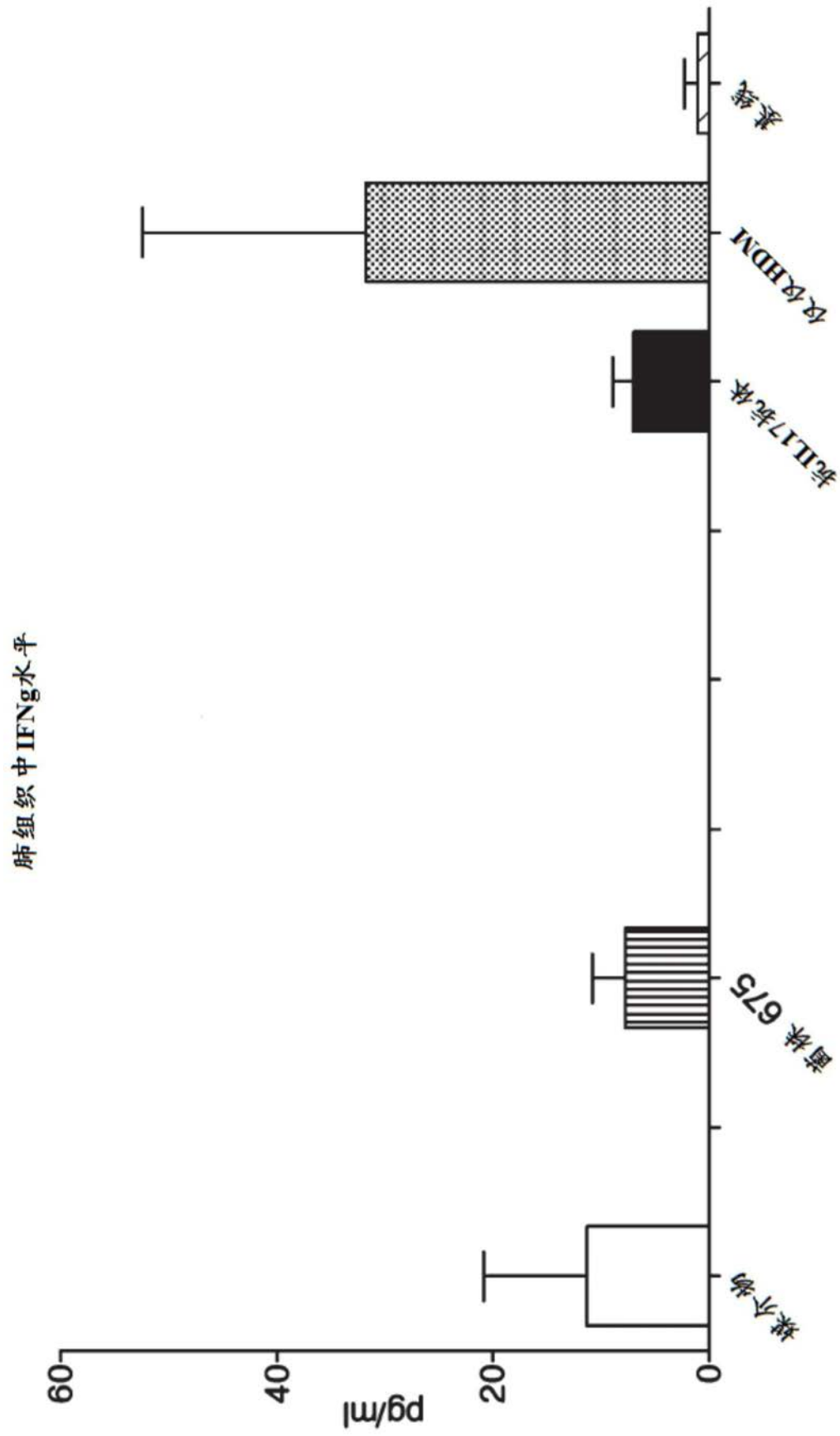


图56

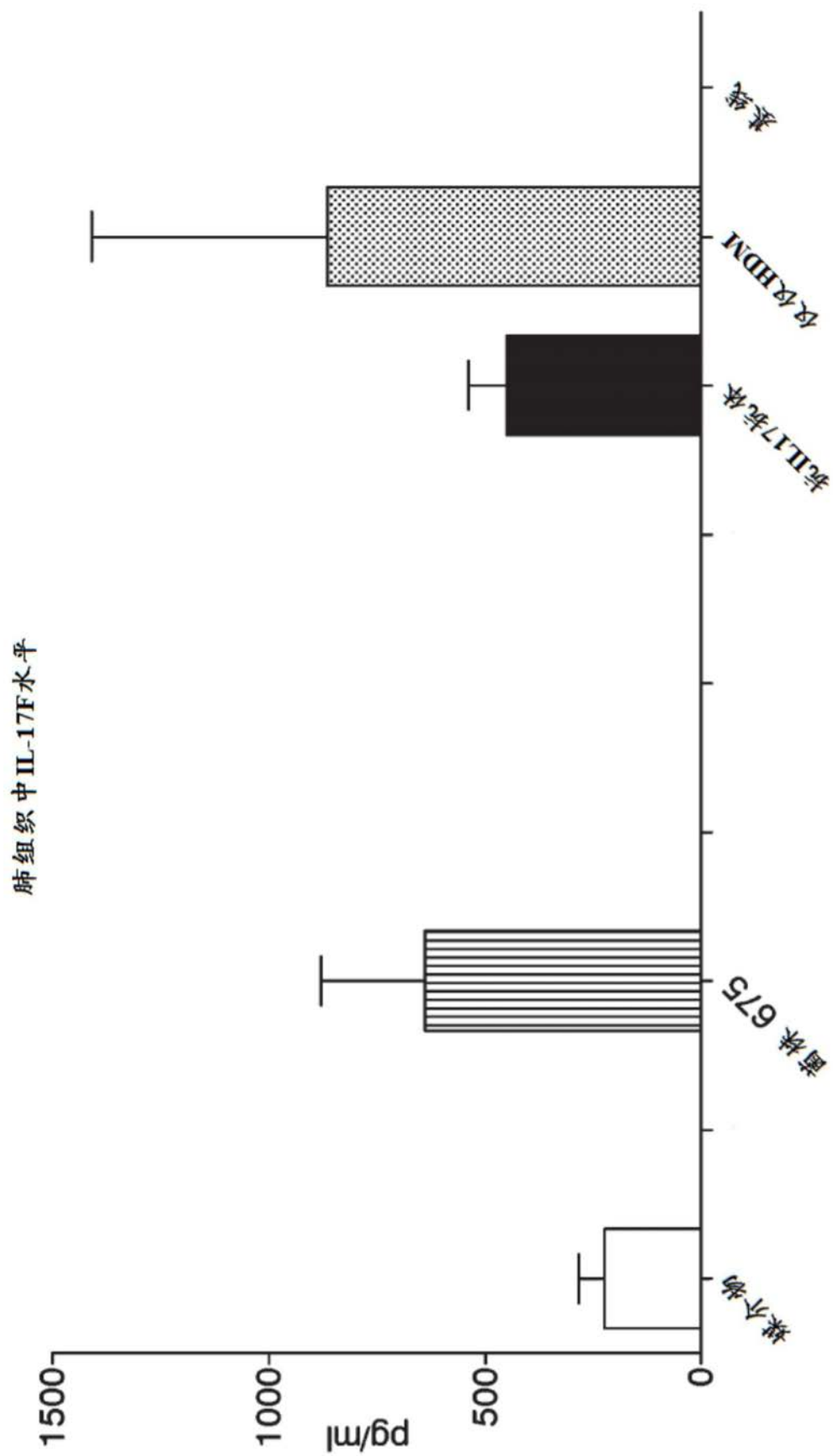


图57

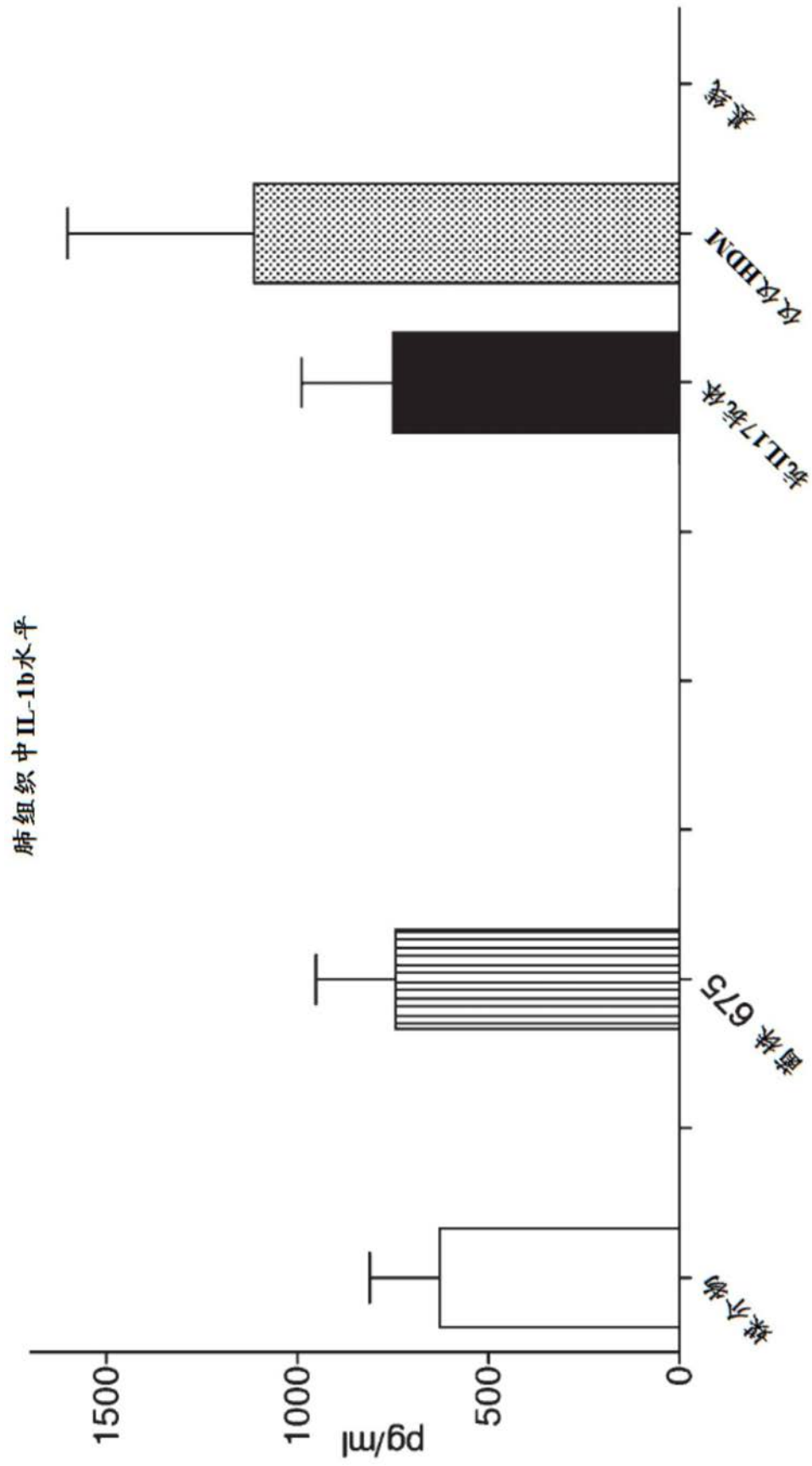


图58

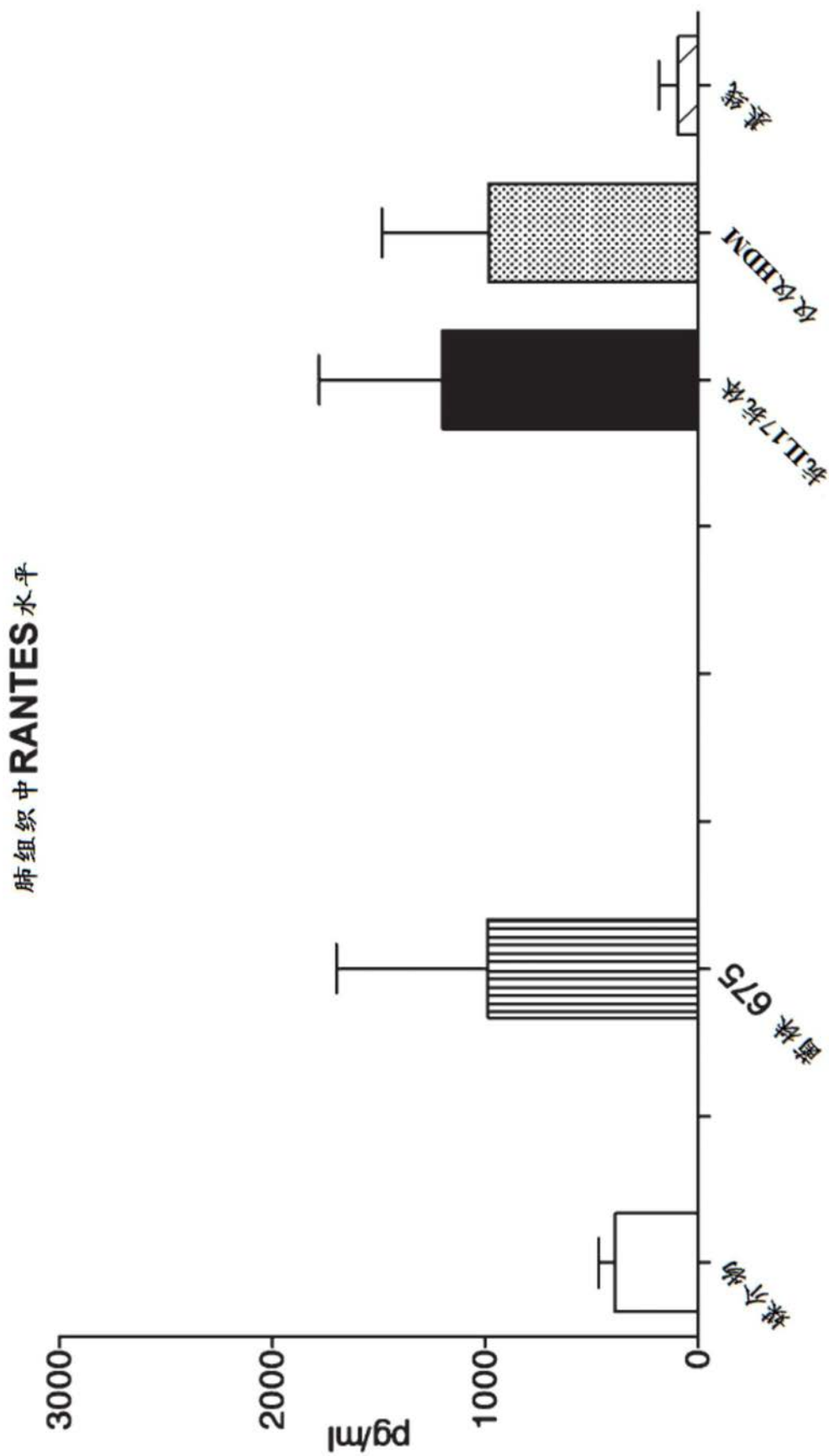


图59

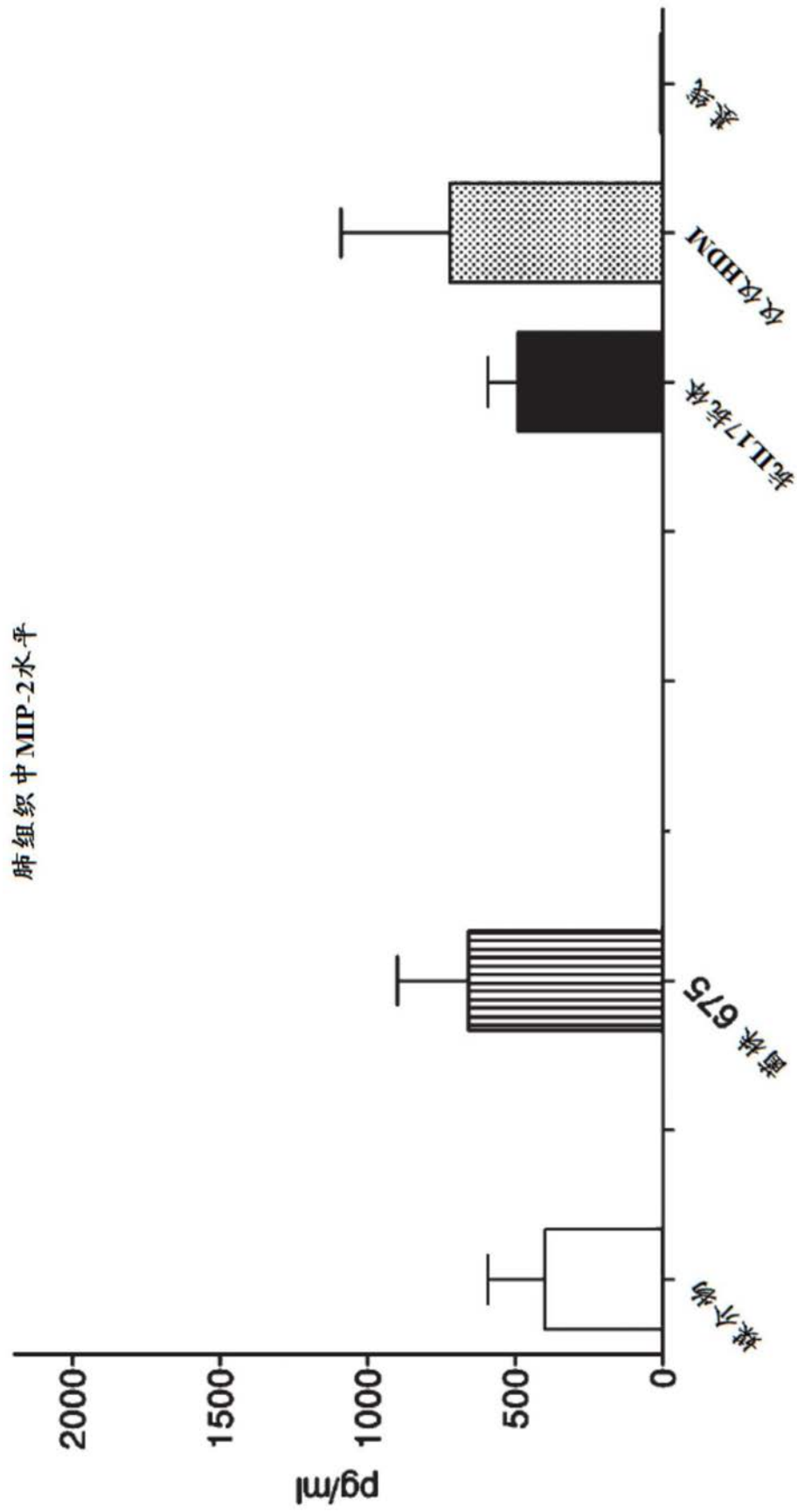


图60



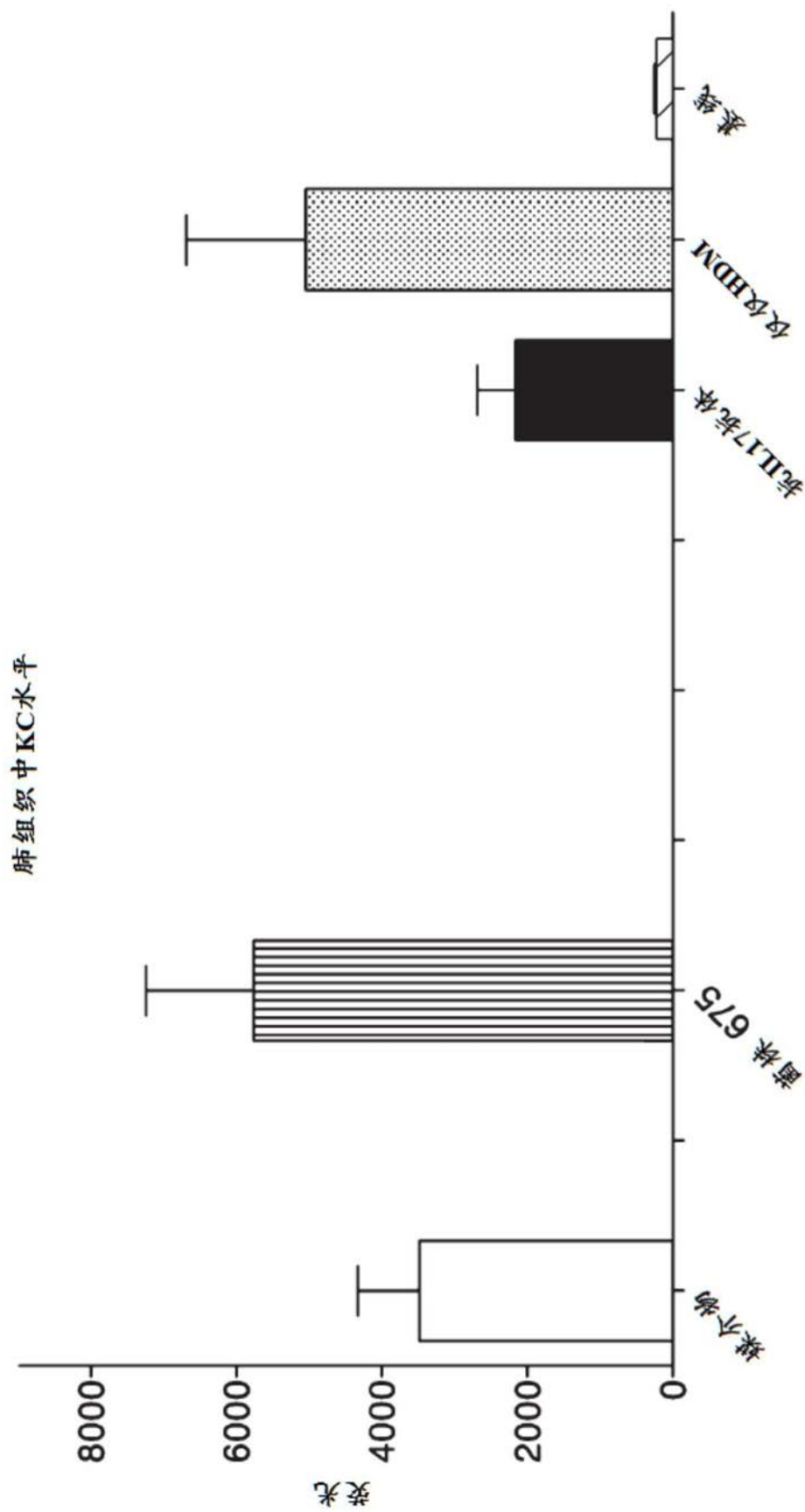


图61

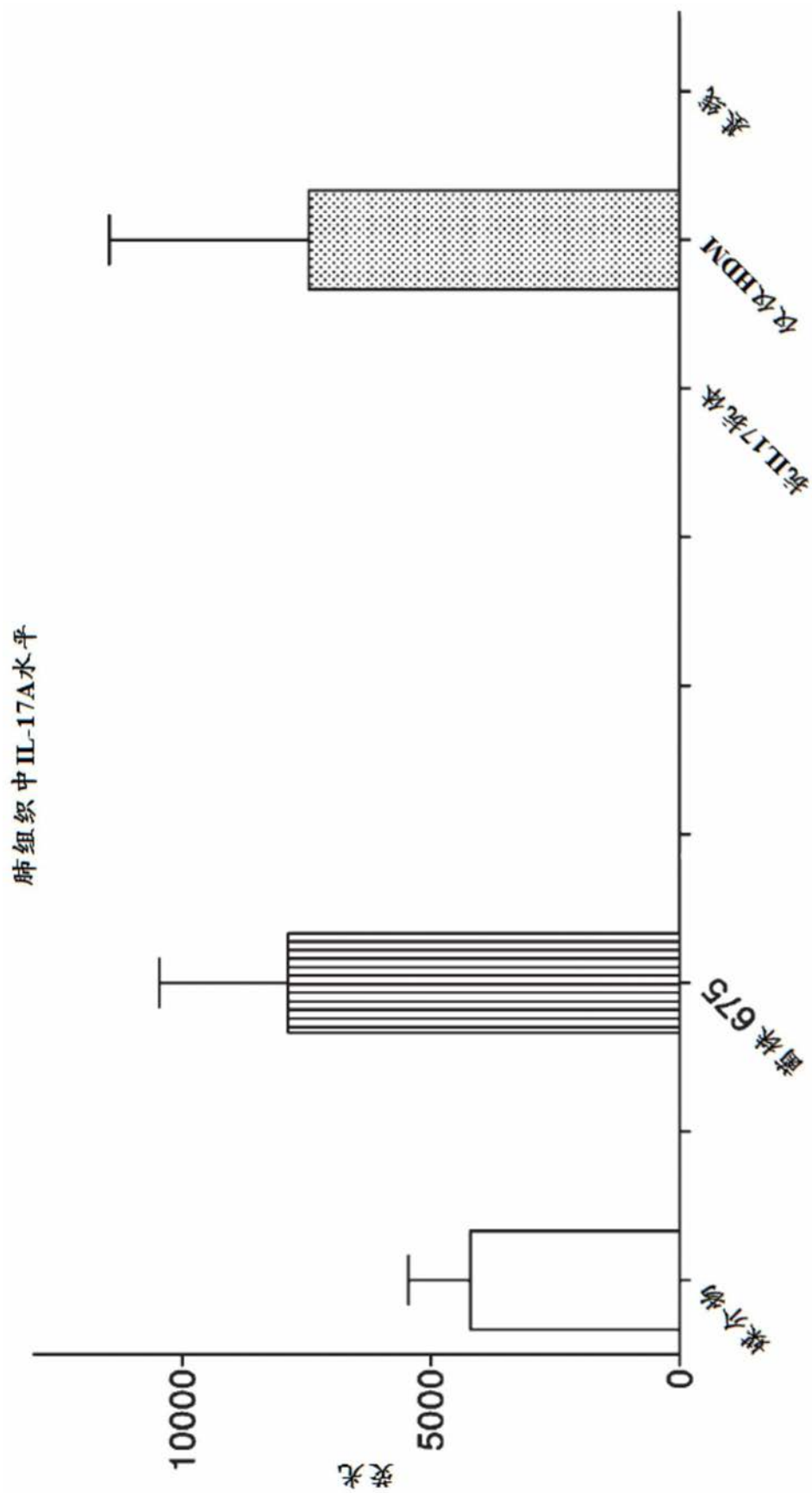


图62

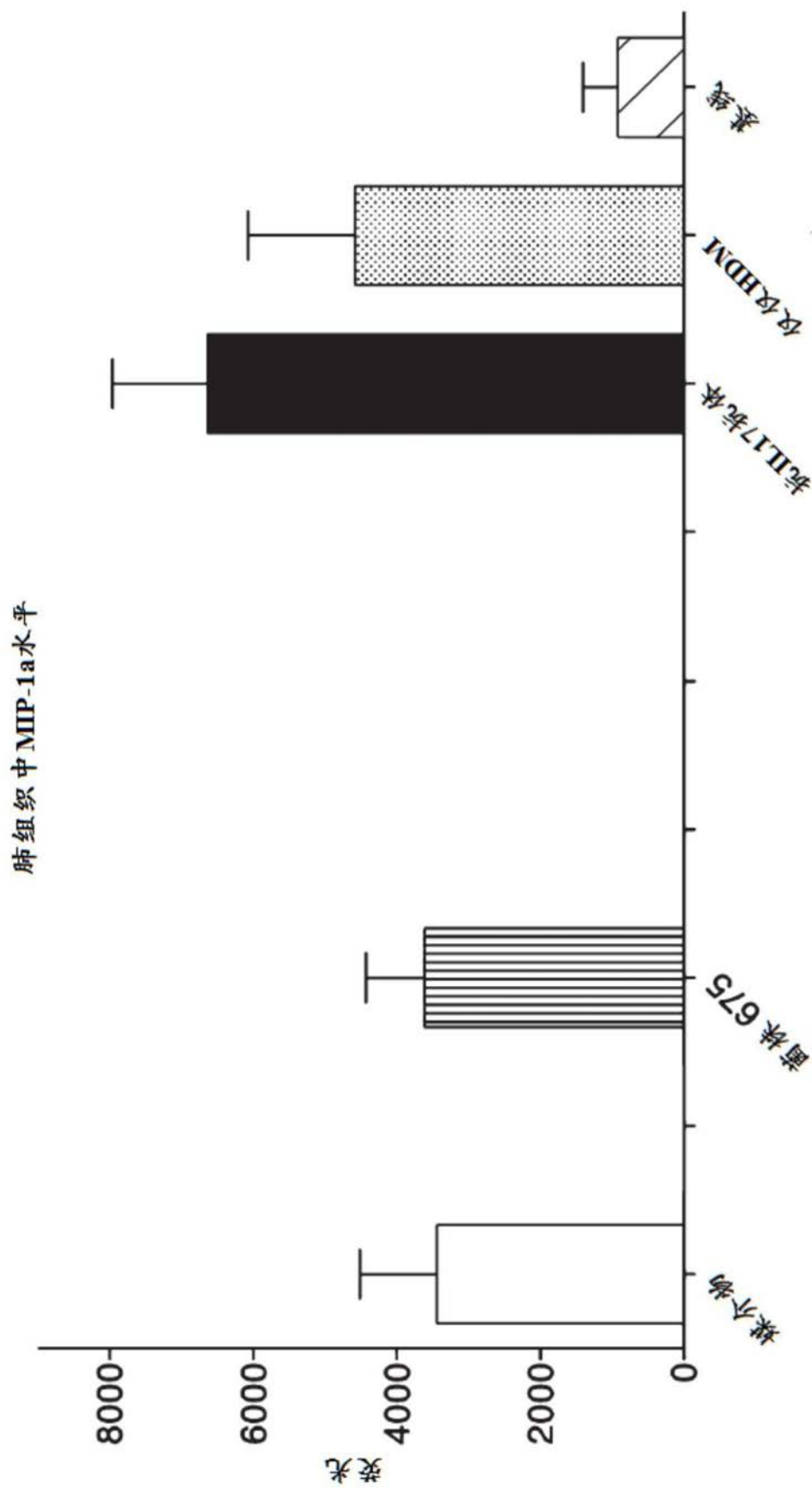


图63

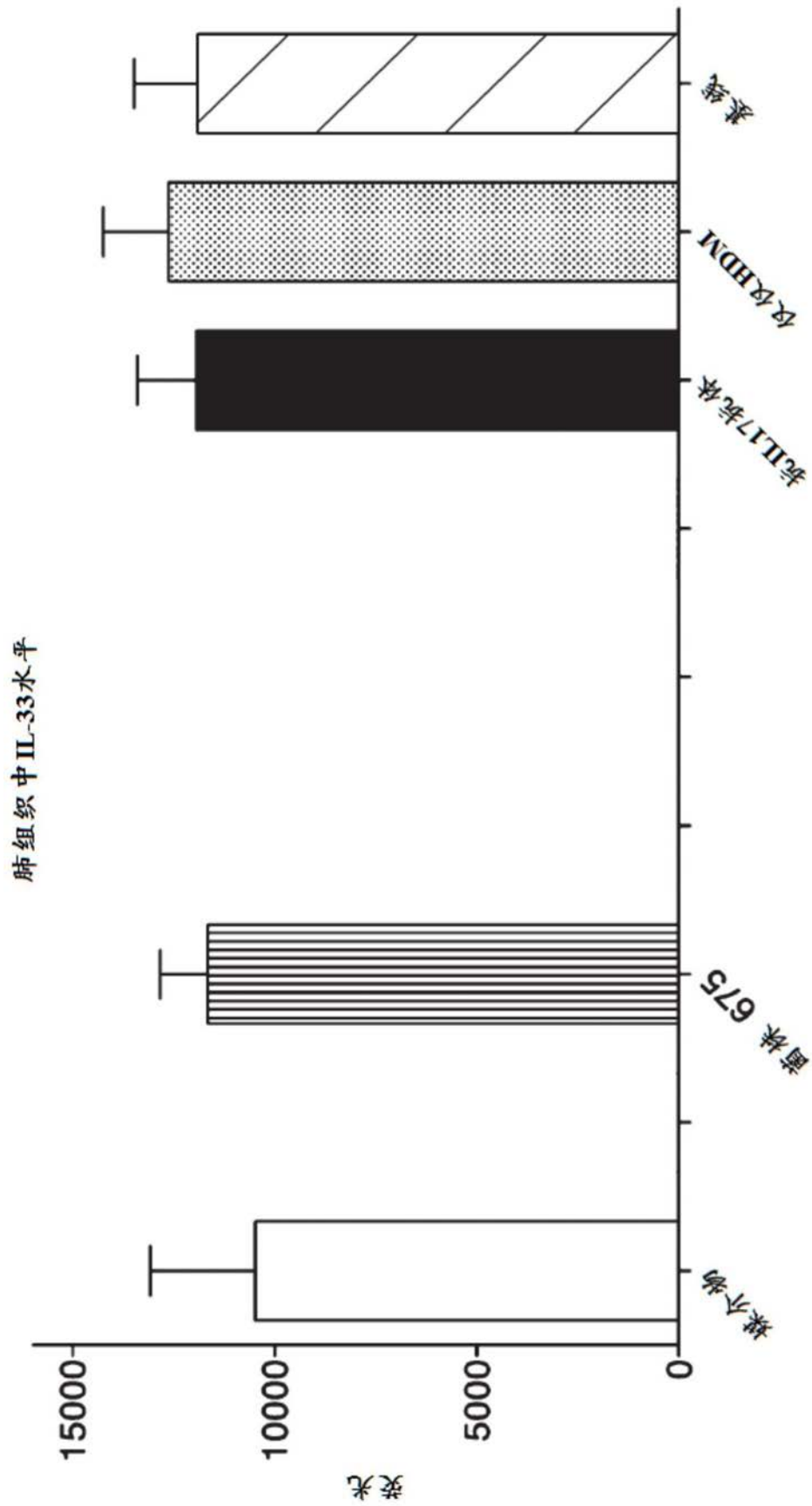
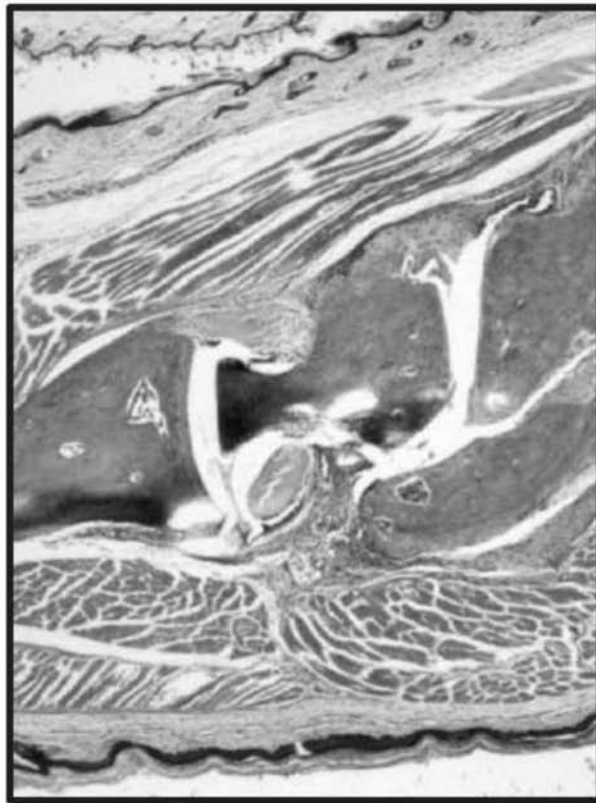
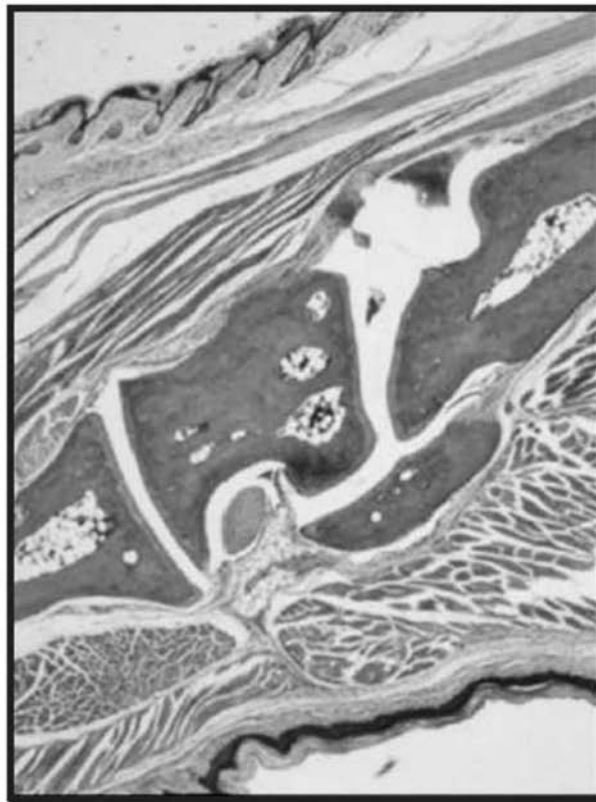


图64

组织病理学评分的目测模板

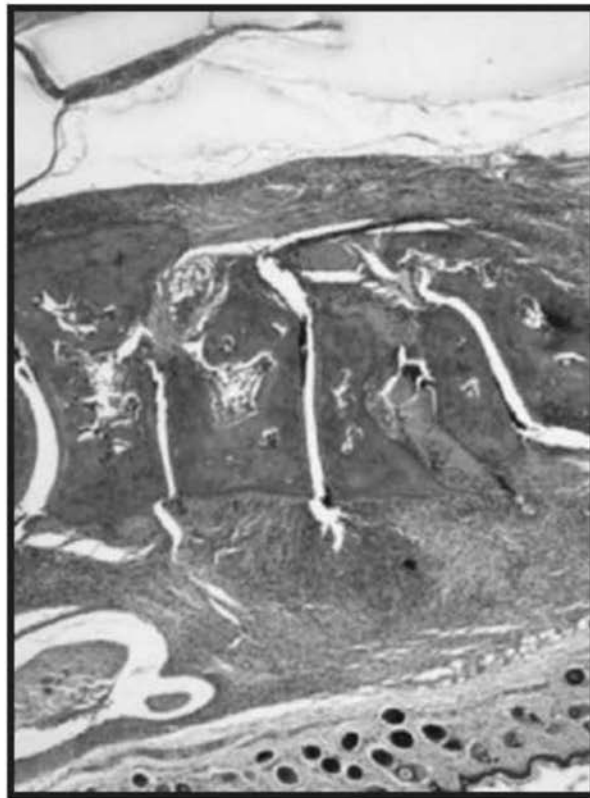


级别 1

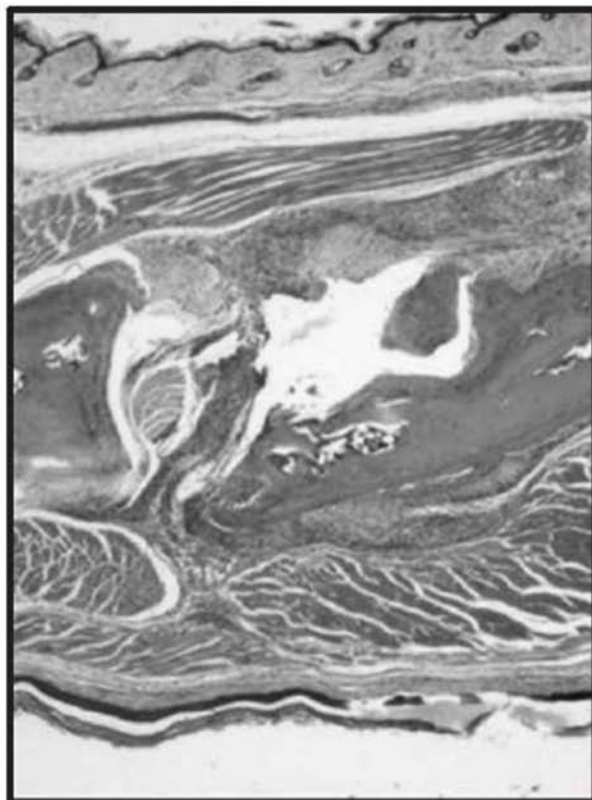


级别 0

图65

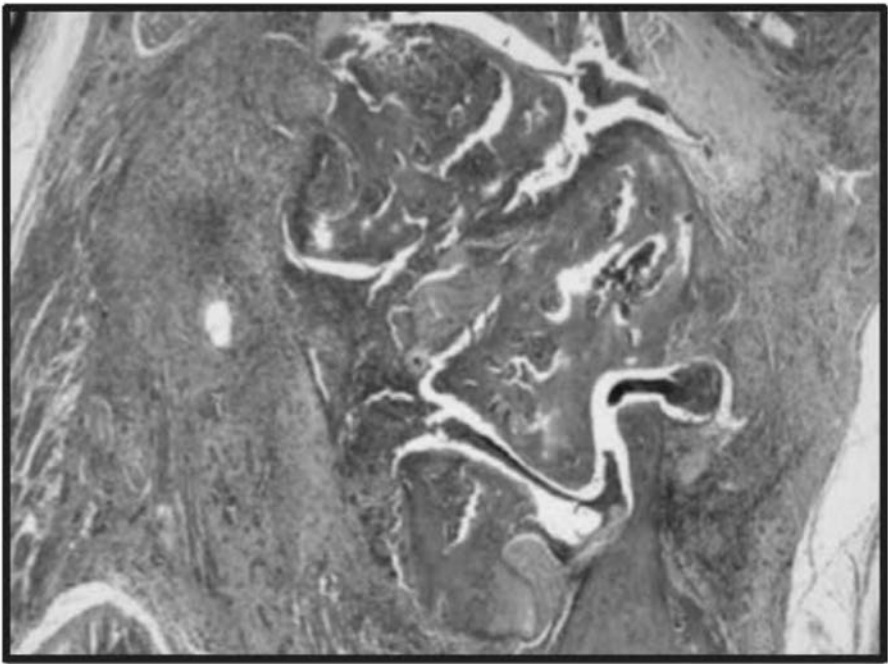


级别 7



级别 4

图65 (续)



级别 9

图65(续)

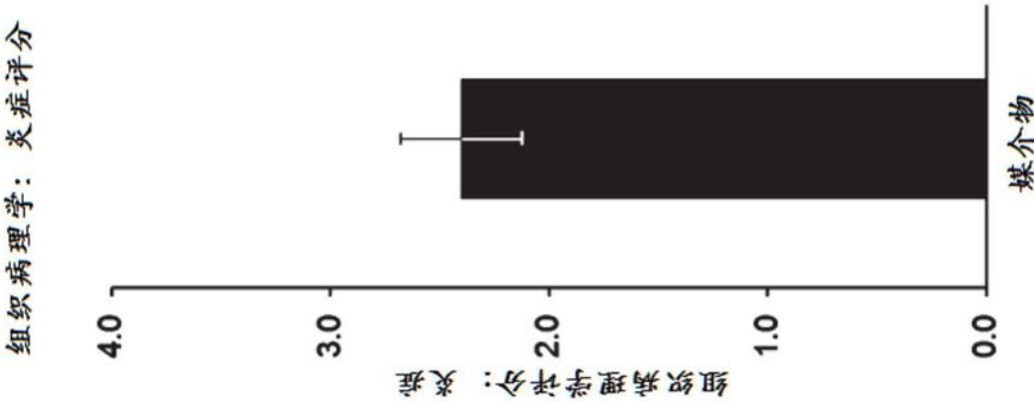


图66

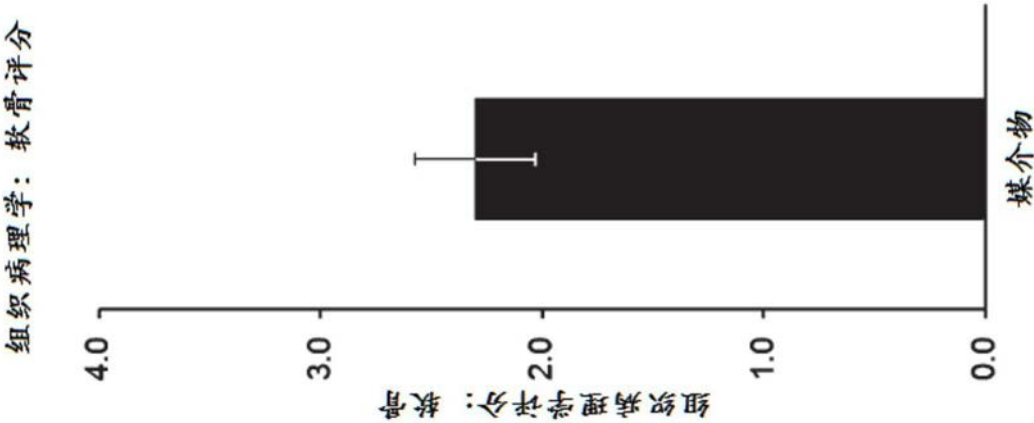


图67

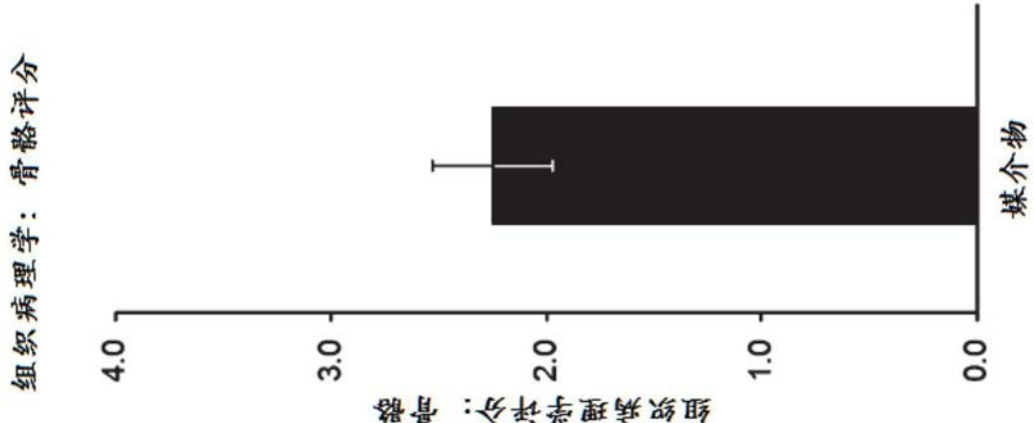


图68

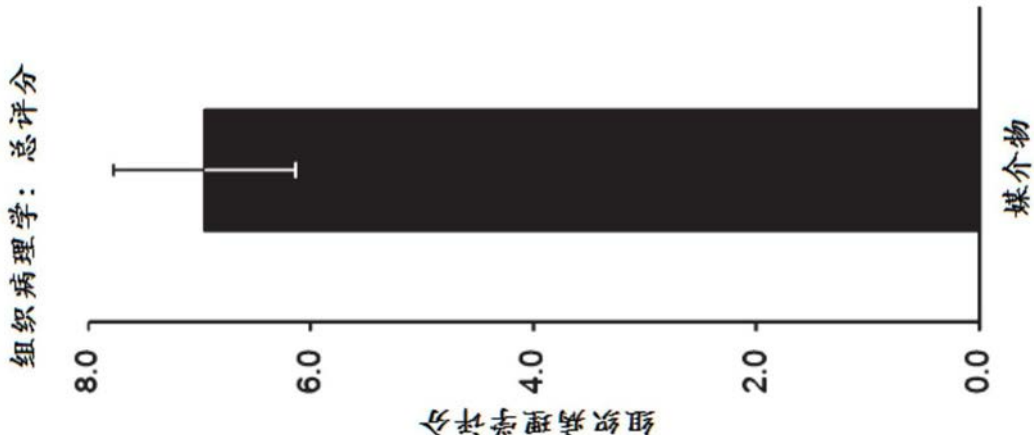


图69



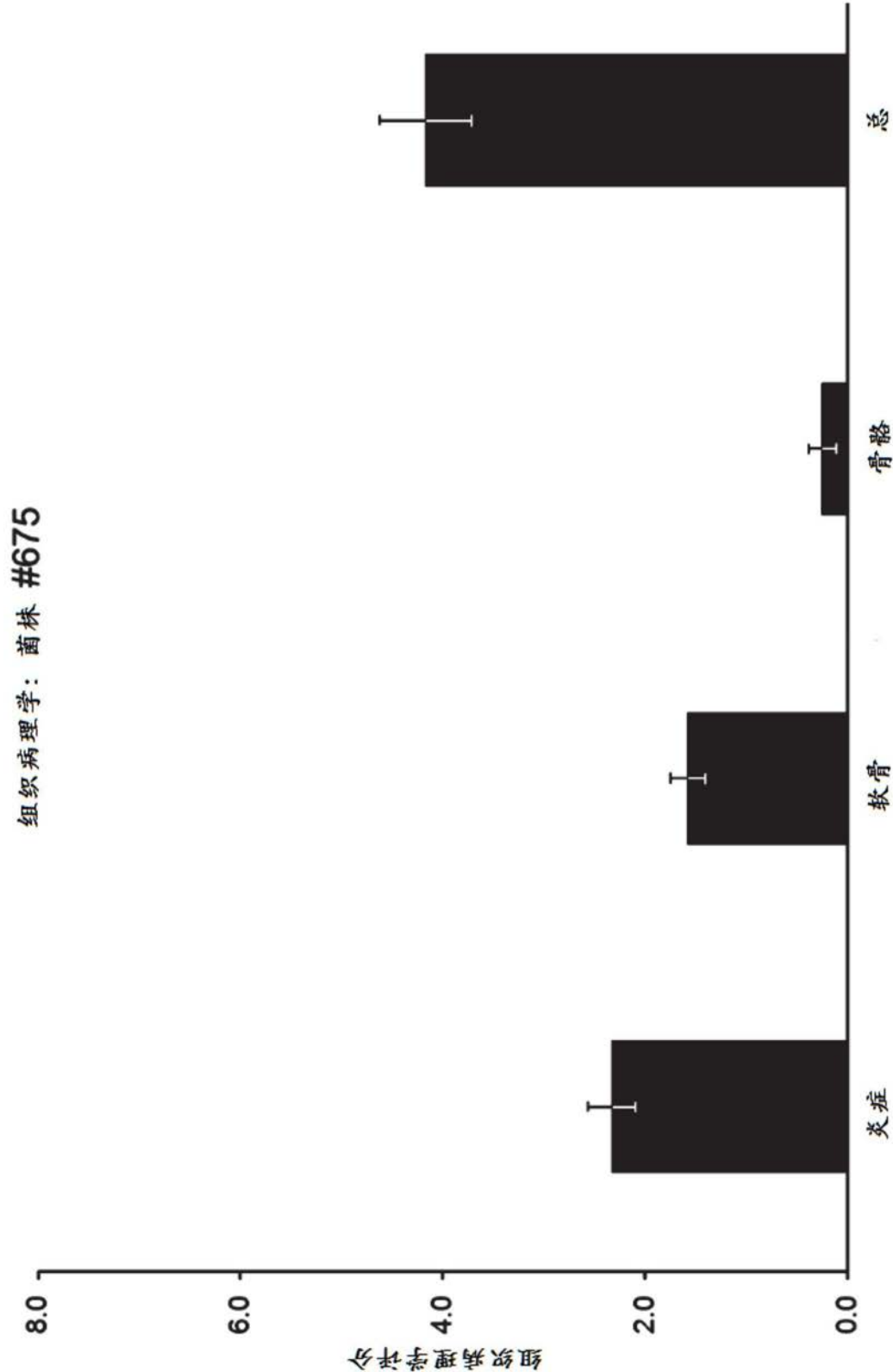
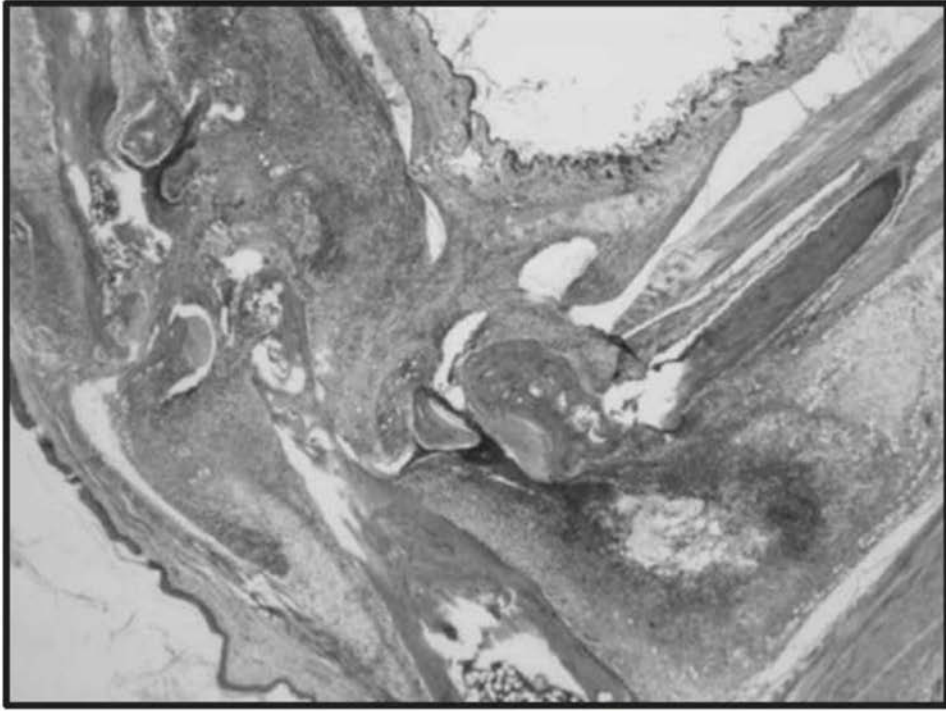
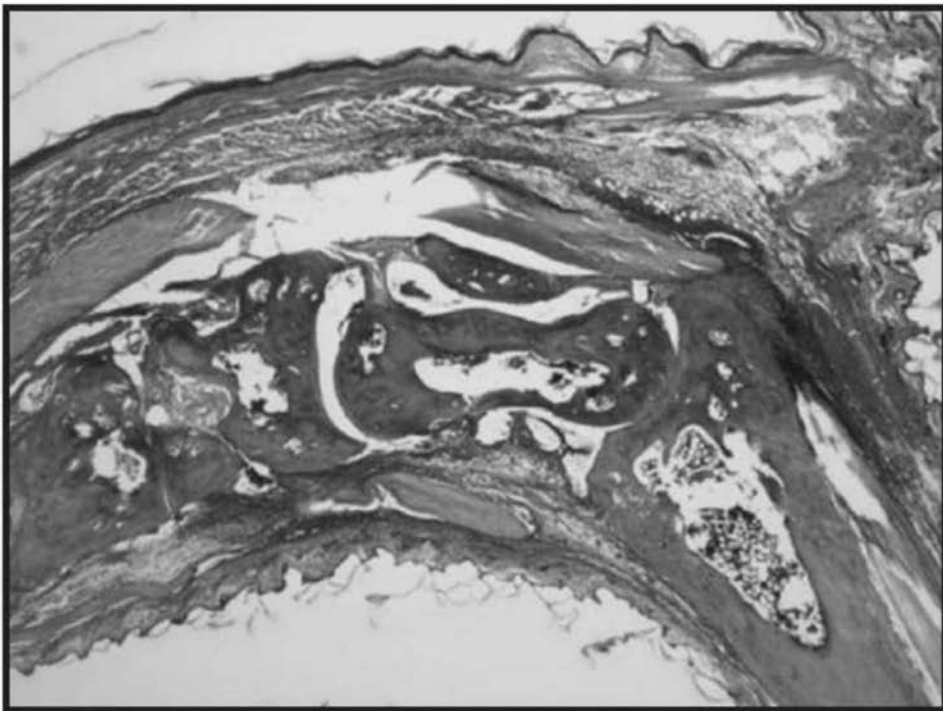


图70



媒介物 (#1.11R, 级别9)



菌株 #675 (#4.9L, 级别5)

图71

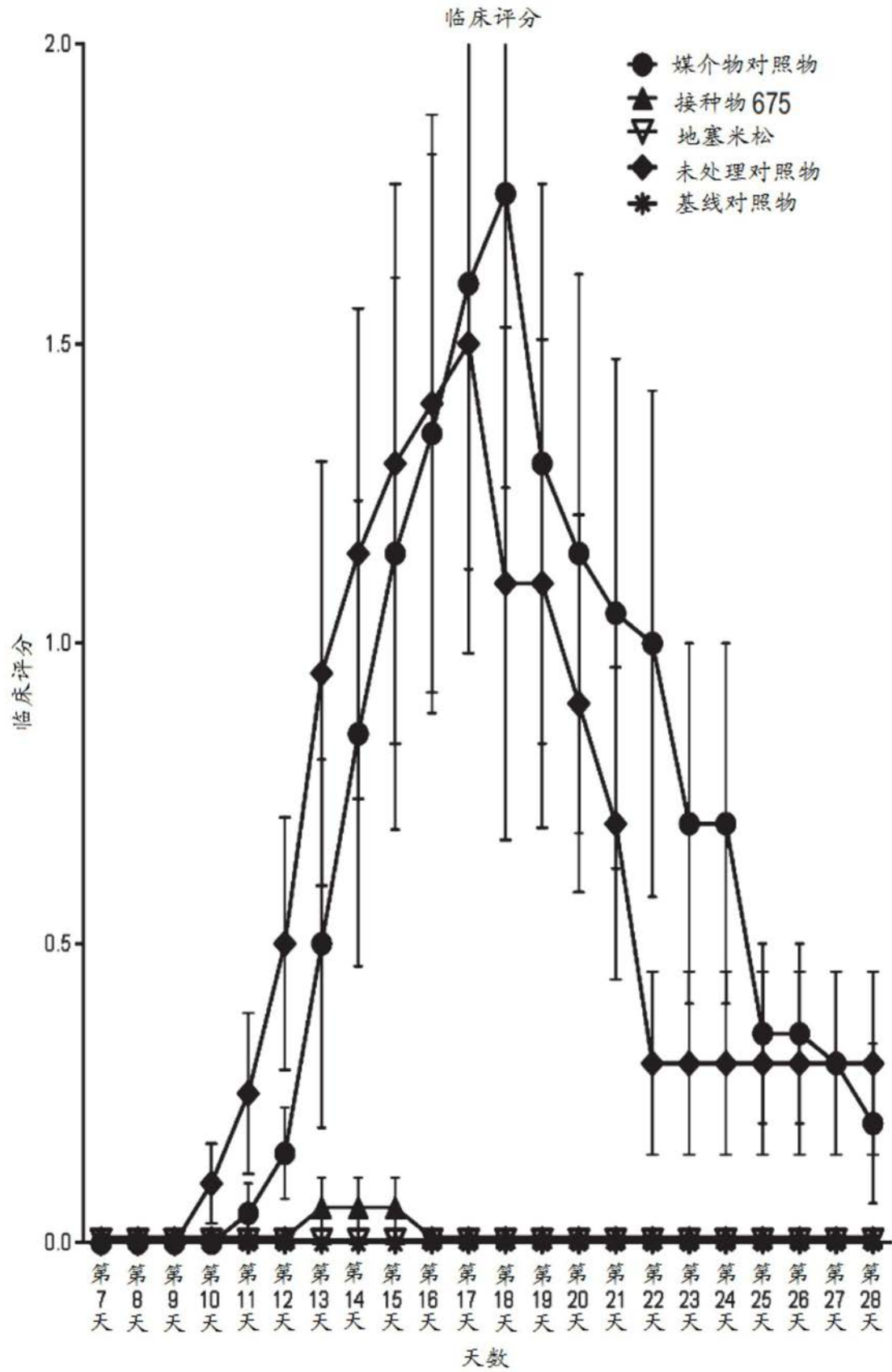


图72

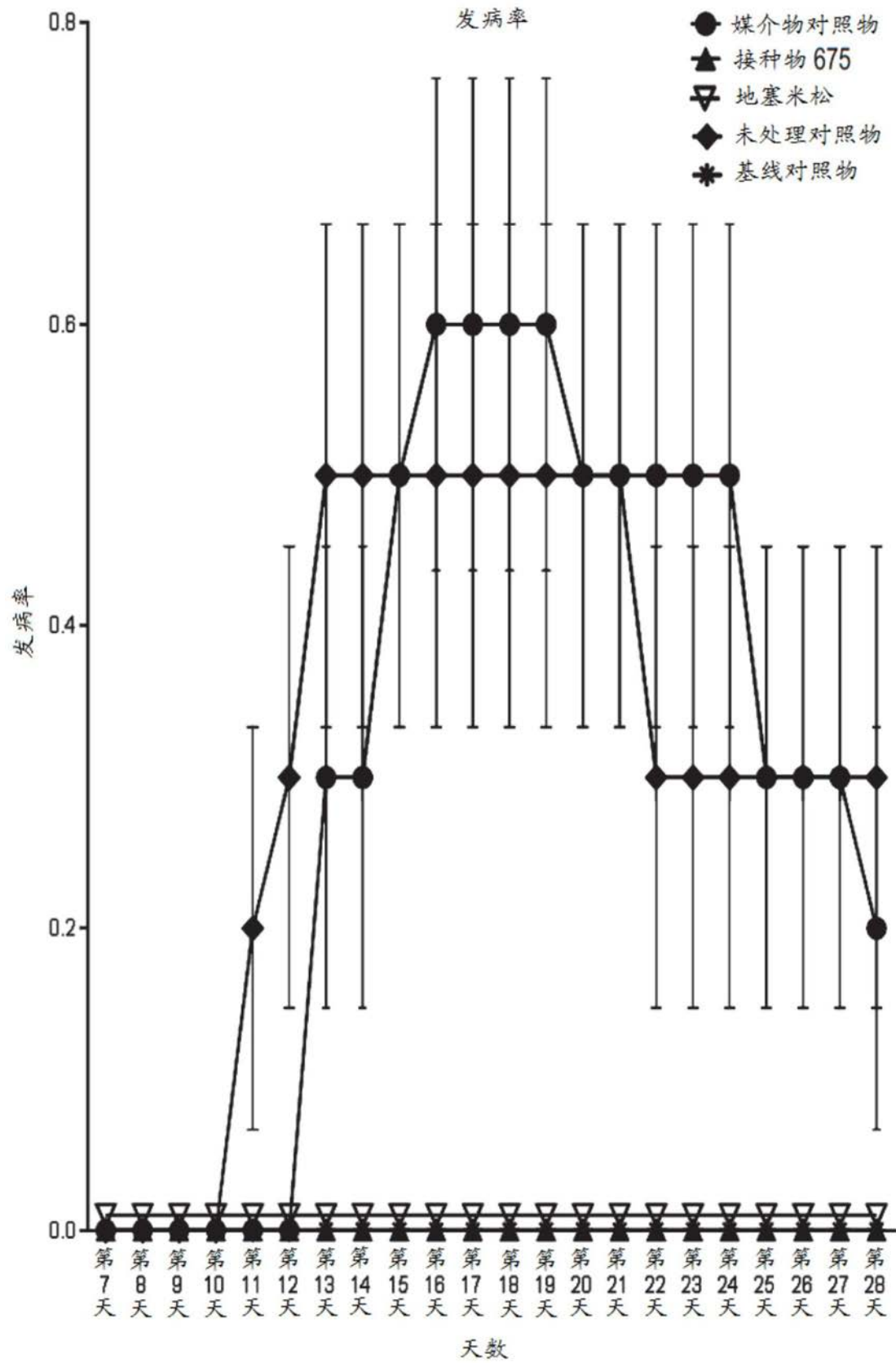


图73