

(19) 日本国特許庁(JP)

(12) 公表特許公報(A)

(11) 特許出願公表番号

特表2006-519590
(P2006-519590A)

(43) 公表日 平成18年8月31日(2006.8.31)

(51) Int.C1.	F 1	テーマコード (参考)
C12N 15/09 (2006.01)	C 12 N 15/00	Z N A A 2 B 0 3 0
AO1H 5/00 (2006.01)	A O 1 H 5/00	A 4 B 0 2 4
C07K 14/415 (2006.01)	C 07 K 14/415	4 B 0 6 3
C12Q 1/68 (2006.01)	C 12 Q 1/68	A 4 H 0 4 5
GO1N 33/53 (2006.01)	C 12 Q 1/68	Z
審査請求 未請求 予備審査請求 未請求		(全 71 頁) 最終頁に続く
(21) 出願番号	特願2005-501429 (P2005-501429)	(71) 出願人 398069229 ユース スモークレス タバコ カンパニー
(86) (22) 出願日	平成15年10月16日 (2003.10.16)	アメリカ合衆国 コネチカット州 グリニッヂ ウエスト パトナム アベニュー 100番
(85) 翻訳文提出日	平成17年6月16日 (2005.6.16)	(74) 代理人 100089705 弁理士 杜本 一夫
(86) 國際出願番号	PCT/US2003/032722	(74) 代理人 100076691 弁理士 増井 忠式
(87) 國際公開番号	W02004/035745	(74) 代理人 100075270 弁理士 小林 泰
(87) 國際公開日	平成16年4月29日 (2004.4.29)	(74) 代理人 100080137 弁理士 千葉 昭男
(31) 優先権主張番号	60/418,933	
(32) 優先日	平成14年10月16日 (2002.10.16)	
(33) 優先権主張国	米国 (US)	
(31) 優先権主張番号	60/485,368	
(32) 優先日	平成15年7月8日 (2003.7.8)	
(33) 優先権主張国	米国 (US)	
(31) 優先権主張番号	60/503,989	
(32) 優先日	平成15年9月18日 (2003.9.18)	
(33) 優先権主張国	米国 (US)	

最終頁に続く

(54) 【発明の名称】タバコ属由来のシトクロムp450遺伝子のクローニング

(57) 【要約】

本発明は、タバコ属のp450酵素、およびp450酵素をコードする核酸配列、ならびにこれらの酵素および核酸配列を植物表現型の変更に使用する方法に関する。

【特許請求の範囲】

【請求項 1】

タバコ属 (Nicotiana) から単離された核酸分子であって、

【化 1】

SEQ. ID. No.:149, 151, 153, 155, 157, 159, 161, 163,
 165, 167, 169, 171, 173, 175, 177, 179, 181, 183, 185,
 187, 189, 191, 193, 195, 197, 199, 201, 203, 205, 207,
 209, 211, 213, 215, 217, 219, 221, 223, 225, 227, 229,
 231, 233, 235, 237, 239, 241, 243, 245, 247, 249, 251,
 253, 255, 257, 259, 261, 263, 265, 267, 269, 271, 273,
 275, 277, 279, 281, 283, 285, 287, 289, 291, 293, 295
 および297.

10

よりなる群から選択される核酸配列を含む核酸分子。

【請求項 2】

タバコ属 (Nicotiana) から単離された核酸分子であって、SEQ.ID.No. 299ないしSEQ.I
 D.No. 357よりなる群から選択される核酸配列を含む核酸分子。

20

【請求項 3】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、

【化 2】

SEQ. ID. No.: 150, 152, 154,
 156, 158, 160, 162, 164, 166, 168, 170, 172, 174, 176,
 178, 180, 182, 184, 186, 188, 190, 192, 194, 196, 198,
 200, 202, 204, 206, 208, 210, 212, 214, 216, 218, 220,
 222, 224, 226, 228, 230, 232, 234, 236, 238, 240, 242,
 244, 246, 248, 250, 252, 254, 256, 258, 260, 262, 264,
 266, 268, 270, 272, 274, 276, 278, 280, 282, 284, 286,
 288, 290, 292, 294, 296 および298.

30

よりなる群から選択されるアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 4】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 180またはSEQ.I
 D.No. 182、SEQ.ID.No. 184またはSEQ.ID.No. 224に対する少なくとも85%のアミノ酸
 同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

40

【請求項 5】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 218またはSEQ.I
 D.No. 246に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタン
 パク質。

【請求項 6】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 168に対する
 少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 7】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 202、204または
 SEQ.ID.No. 276に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含
 むタンパク質。

50

【請求項 8】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 20、SEQ.ID.No. 260またはSEQ.ID.No. 268に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 9】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 256およびSEQ.ID.No. 254に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 10】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 266またはSEQ.ID.No. 240に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。 10

【請求項 11】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 172、SEQ.ID.No. 190またはSEQ.ID.No. 220に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 12】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 216またはSEQ.ID.No. 262に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。 20

【請求項 13】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 50、SEQ.ID.No. 152、SEQ.ID.No. 196またはSEQ.ID.No. 198に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 14】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 296、SEQ.ID.No. 160、SEQ.ID.No. 158、SEQ.ID.No. 204、SEQ.ID.No. 206およびSEQ.ID.No. 208に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 15】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 162またはSEQ.ID.No. 164に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。 30

【請求項 16】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 212、214、238または254に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 17】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 188または170に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 18】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 214、241、258または252に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。 40

【請求項 19】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 186、SEQ.ID.No. 248またはSEQ.ID.No. 228に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 20】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 298またはSEQ.ID.No. 176に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタン 50

パク質。

【請求項 2 1】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 234に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 2 2】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 236に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 2 3】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 230に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 2 4】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 174に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 2 5】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 174に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 2 6】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 226に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 2 7】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 178に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 2 8】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 272に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 2 9】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 180またはSEQ.ID.No. 182、SEQ.ID.No. 184またはSEQ.ID.No. 224に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 3 0】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 218またはSEQ.ID.No. 246に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 3 1】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 168に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 3 2】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 202、204またはSEQ.ID.No. 276に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 3 3】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 20、SEQ.ID.No. 260またはSEQ.ID.No. 268に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 3 4】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 256およびSEQ.ID.No. 254に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 3 5】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 266またはSEQ

10

20

30

40

50

.ID.No. 240に対する少なくとも85%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 3 6】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 172、SEQ.ID.No. 190またはSEQ.ID.No. 220に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 3 7】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 216またはSEQ.ID.No. 262に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

10

【請求項 3 8】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 50、SEQ.ID.No. 152、SEQ.ID.No. 196またはSEQ.ID.No. 198に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 3 9】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 296、SEQ.ID.No. 160、SEQ.ID.No. 158、SEQ.ID.No. 204、SEQ.ID.No. 206およびSEQ.ID.No. 208に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 4 0】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 162またはSEQ.ID.No. 164に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

20

【請求項 4 1】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 212、214、238または254に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 4 2】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 188または170に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

30

【請求項 4 3】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 214、241、258または252に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 4 4】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 186、SEQ.ID.No. 248またはSEQ.ID.No. 228に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 4 5】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 298またはSEQ.ID.No. 176に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

40

【請求項 4 6】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 234に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 4 7】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 236に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 4 8】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 230に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

50

【請求項 4 9】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 174に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 5 0】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 174に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 5 1】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 226に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 5 2】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 178に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 5 3】

タバコ属 (Nicotiana) から単離されたタンパク質であって、SEQ.ID.No. 272に対する少なくとも90%のアミノ酸同一性を構成するアミノ酸配列を含むタンパク質。

【請求項 5 4】

トランスジェニック植物であって、請求項 1 または 2 に記載の核酸分子を含むトランスジェニック植物。

【請求項 5 5】

植物がタバコ植物である、請求項 5 4 に記載のトランスジェニック植物。

【請求項 5 6】

トランスジェニック植物の作製方法であって、

(i) 請求項 1 または 2 に記載の核酸分子を、該植物において機能性であるプロモーターと作動可能な状態で結合させて、植物形質転換用ベクターを作製し；

(ii) 該植物を前記工程の植物形質転換用ベクターで形質転換し；

(iii) 形質転換用ベクターで形質転換した植物細胞を選択し；そして

(iv) 形質転換した植物細胞から形質転換植物を再生する

工程を含む方法。

【請求項 5 7】

核酸分子がアンチセンス配向である、請求項 5 6 に記載の方法。

【請求項 5 8】

核酸分子がセンス配向である、請求項 5 6 に記載の方法。

【請求項 5 9】

核酸分子がRNA干渉配向である、請求項 5 6 に記載の方法。

【請求項 6 0】

核酸分子が二本鎖RNA分子として発現する、請求項 5 6 に記載の方法。

【請求項 6 1】

二本鎖RNA分子が約15～25ヌクレオチドの長さである、請求項 5 6 に記載の方法。

【請求項 6 2】

トランスジェニック植物がタバコ植物である、請求項 5 6 に記載の方法。

【請求項 6 3】

ある核酸分子を含む植物を選択する方法であって、

10

20

30

40

【化3】

149, 151, 153, 155, 157, 159, 161,
 163, 165, 167, 169, 171, 173, 175, 177, 179, 181, 183,
 185, 187, 189, 191, 193, 195, 197, 199, 201, 203, 205,
 207, 209, 211, 213, 215, 217, 219, 221, 223, 225, 227,
 229, 231, 233, 235, 237, 239, 241, 243, 245, 247, 249,
 251, 253, 255, 257, 259, 261, 263, 265, 267, 269, 271,
 273, 275, 277, 279, 281, 283, 285, 287, 289, 291, 293,
 295 および 297.

10

20

よりなる群から選択される核酸配列の存在について植物を分析することを含む方法。

【請求項64】

植物をDNAハイブリダイゼーションにより分析する、請求項63に記載の植物選択方法。

【請求項65】

DNAハイブリダイゼーションがサザンプロット分析である、請求項64に記載の植物選択方法。

【請求項66】

DNAハイブリダイゼーションがノーザンプロット分析である、請求項65に記載の植物選択方法。

【請求項67】

植物をPCR検出により分析する、請求項66に記載の植物選択方法。

【請求項68】

植物がタバコ植物である、請求項67に記載の方法。

【請求項69】

DNAハイブリダイゼーションが核酸プローブを含み、該核酸プローブが

【化4】

149,
 151, 153, 155, 157, 159, 161, 163, 165, 167, 169, 171,
 173, 175, 177, 179, 181, 183, 185, 187, 189, 191, 193,
 195, 197, 199, 201, 203, 205, 207, 209, 211, 213, 215,
 217, 219, 221, 223, 225, 227, 229, 231, 233, 235, 237,
 239, 241, 243, 245, 247, 249, 251, 253, 255, 257, 259,
 261, 263, 265, 267, 269, 271, 273, 275, 277, 279, 281,
 283, 285, 287, 289, 291, 293, 295 および 297.

30

40

よりなる群から選択される核酸配列を含む核酸フラグメントである、請求項85に記載の方法。

【請求項70】

植物がトランスジェニック植物である、請求項69に記載の植物選択方法。

【請求項71】

植物が変異誘発集団から選択される、請求項69に記載の植物選択方法。

【請求項72】

植物が育種集団から選択される、請求項69に記載の植物選択方法。

【請求項73】

植物がタバコ属 (Nicotiana) から選択される、請求項69に記載の植物選択方法。

50

【発明の詳細な説明】

【技術分野】

【0001】

本発明は、タバコ属 (*Nicotiana*) 植物中のシトクロムp450酵素（以下、p450およびp450酵素と呼ぶ）をコードする核酸配列、およびこれらの核酸配列を用いて植物表現型を変化させる方法に関する。

【背景技術】

【0002】

背景

シトクロムp450は、化学的に異なる広範な基質について、内因性物質および異生物的物質の酸化、過酸化および還元代謝を含めた酵素反応を触媒する。植物においてp450は、フェニルプロパノイド、アルカロイド、テルペノイド、脂質、青酸配糖体、およびグルコシノラートなどの植物産物の合成を含めた生化学的経路に関与する (Chappel, *Annu. Rev. Plant Physiol. Plant Mol. Biol.* 198, 49: 311-343)。シトクロムp450はp450ヘム-チオラートタンパク質としても知られ、通常は、p450含有モノオキシゲナーゼ系と呼ばれる多成分電子伝達鎖においてターミナルオキシダーゼとして作用する。触媒される具体的な反応には、脱メチル、ヒドロキシル化、エポキシド化、N-酸化、スルホ酸化、N-、S-およびO-脱アルキル、脱硫酸、脱アミノ、ならびにアゾ、ニトロおよびN-オキシド基の還元が含まれる。

【0003】

フェニルプロパノイド、アルカロイド、テルペノイド、脂質、青酸配糖体、グルコシノラートならびに他の多数の化学物質など多様な植物代謝産物に対する影響において、タバコ属植物p450酵素の広範な役割が示唆されている。近年、あるp450酵素が植物において植物代謝産物の組成に影響を及ぼす可能性のあることが次第に明らかになりつつある。たとえば、特定の脂肪酸のプロフィールを品種改良により変化させることによってある植物のフレーバーおよび芳香を改良することが、長い間望まれていた；しかし、これらの葉成分のレベルの制御に関する機序については、ごくわずかしか分かっていない。脂肪酸の修飾に関連するp450酵素のダウンレギュレーションは、目的脂肪酸の蓄積を促進し、より好みの性質の葉表現型を生じる可能性がある。植物成分におけるp450酵素の機能およびそれらの広範な役割は、なお探索中である。たとえばある特殊なクラスのp450酵素は、脂肪酸から果実および野菜の”フレッシュグリーン”臭に関係する主な物質である揮発性C6-およびC9-アルデヒドおよび-アルコールへの分解を触媒することが見いだされた。タバコ属の葉において他の新たな標的p450のレベルを変化させて脂質組成および関連の分解代謝産物を改変することにより、葉成分の性質を向上させるように変更することができる。これらの葉成分のうち幾つかは、葉の質的特性の熟成を刺激する老化 (senescence) により影響される。さらに他の報告は、植物病原体との相互作用および疾病抵抗性に関与する脂肪酸の変化に際してp450酵素が機能的役割をもつことを示した。

【0004】

他の場合、p450酵素はアルカロイドの生合成に関与することが示唆された。ノルニコチンはニコチアナ・タバセウム (*Nicotiana tabaceum*) 中にみられる副アルカロイドである。それはニコチンのp450仲介脱メチルにより産生され、続いてN位におけるアシル化およびニトロソ化により一連のN-アシルノルニコチンおよびN-ニトロソノルニコチンが生成すると推定されている。推定p450デメチラーゼにより仲介されるN-脱メチルは、タバコ属における主要なノルニコチン生合成の供給源であると考えられる。この酵素はミクロソーム系であると考えられるが、これまでニコチンデメチラーゼ酵素の精製は成功しておらず、関与する遺伝子も単離されていない。

【0005】

さらに、p450酵素の活性は遺伝的に制御され、環境因子によっても強い影響を受けると仮定されているが、証明されていない。たとえば、タバコ属におけるニコチンの脱メチルは、植物が成熟段階に達したとき実質的に増大すると考えられる。さらに、デメチラーゼ

10

20

30

40

50

遺伝子は、存在する場合にはRNAの翻訳を阻害する可能性のある転位因子を含むと仮定されているが、まだ証明されていない。

【0006】

p450酵素形態の多様性が大きく、それらの構造および機能が異なるため、タバコ属p450酵素に関する研究は本発明以前はきわめて困難であった。さらに、少なくとも一部は、これらの膜局在タンパク質は一般に低い量で存在し、しばしば精製に対して不安定であるという理由から、p450酵素のクローニングが妨げられてきた。したがって、植物中のp450酵素およびそれらのp450酵素に関連する核酸配列を同定することが要望されている。特に、タバコ属において報告されているシトクロムp450タンパク質はごく少数にすぎない。本明細書に記載する本発明は、幾つかのグループのp450種に対応する多数のシトクロムp450フラグメントをそれらの配列同一性に基づいて見いだした。 10

【発明の開示】

【課題を解決するための手段】

【0007】

概要

本発明は、植物p450酵素に関する。本発明はさらに、タバコ属由来の植物p450酵素に関する。本発明はまた、エチレンおよび/または植物老化により発現が誘発される植物p450酵素に関する。本発明はさらに、たとえばオキシゲナーゼ、デメチラーゼなどのカテゴリーに属する酵素活性をもつ植物核酸配列、およびそれらの配列を用いて遺伝子の発現または過剰発現を低下または沈黙させることに関する。本発明はまた、低いノルニコチンレベルを示す植物より高レベルのノルニコチンを含む植物中にみられるp450酵素に関する。 20

【0008】

第1態様において本発明は、

【0009】

【化1】

SEQ. ID. Nos. 1, 3, 5, 7,

9, 11, 13, 15, 17, 19, 21, 23, 25, 27, 29, 31, 33, 35,

37, 39, 41, 43, 45, 47, 49, 51, 53, 55, 57, 59, 61, 63,

65, 67, 69, 71, 73, 75, 77, 79, 81, 83, 85, 87, 89, 91,

95, 97, 99, 101, 103, 105, 107, 109, 111, 113, 115, 117,

119, 121, 123, 125, 127, 129, 131, 133, 135, 137, 139,

143, 145, 147, 149, 151, 153, 155, 157, 159, 161, 163,

165, 167, 169, 171, 173, 175, 177, 179, 181, 183, 185,

187, 189, 191, 193, 195, 197, 199, 201, 203, 205, 207,

209, 211, 213, 215, 217, 219, 221, 223, 225, 227, 229,

231, 233, 235, 237, 239, 241, 243, 245, 247, 249, 251,

253, 255, 257, 259, 261, 263, 265, 267, 269, 271, 273,

275, 277, 279, 281, 283, 285, 287, 289, 291, 293, 295 および

297.

30

40

40

50

【0010】

に記載する核酸配列に関する。

第2の関連態様においては、75%を超える核酸配列同一性を構成するフラグメントを、シトクロムp450モチーフGXRXCX(G/A)に続く第1核酸から終止コドンまでに対応する領域におけるそれらの同一性に応じて分類した。代表的な核酸グループおよびそれぞれの種

を表Iに示す。

【0011】

第3態様において本発明は、

【0012】

【化2】

ID. Nos. 2, 4,
6, 8, 10, 12, 14, 16, 18, 20, 22, 24, 26, 28, 30, 32, 34,
36, 38, 40, 42, 44, 46, 48, 50, 52, 54, 56, 58, 60, 62,
64, 66, 68, 70, 72, 74, 76, 78, 80, 82, 84, 86, 88, 90,
92, 96, 98, 100, 102, 104, 106, 108, 110, 112, 114, 116,
118, 120, 122, 124, 126, 128, 130, 132, 134, 136, 138,
140, 144, 146, 148, 150, 152, 154, 156, 158, 160, 162,
164, 166, 168, 170, 172, 174, 176, 178, 180, 182, 184,
186, 188, 190, 192, 194, 196, 198, 200, 202, 204, 206,
208, 210, 212, 214, 216, 218, 220, 222, 224, 226, 228,
230, 232, 234, 236, 238, 240, 242, 244, 246, 248, 250,
252, 254, 256, 258, 260, 262, 264, 266, 268, 270, 272,
274, 276, 278, 280, 282, 284, 286, 288, 290, 292, 294,
296 および 298.

10

20

20

【0013】

に記載するアミノ酸配列に関する。

第4の関連態様においては、71%を超えるアミノ酸配列同一性を構成するフラグメントを、シトクロムp450モチーフGXRXCX(G/A)に続く第1アミノ酸から終止コドンまでに対応する領域におけるそれら相互の同一性に応じて分類した。代表的なアミノ酸グループおよびそれぞれの種を表IIに示す。

【0014】

第5態様において本発明は、

【0015】

【化3】

SEQ. ID. Nos. 150, 152, 154, 156, 158, 160, 162, 164,
166, 168, 170, 172, 174, 176, 178, 180, 182, 184, 186,
188, 190, 192, 194, 196, 198, 200, 202, 204, 206, 208,
210, 212, 214, 216, 218, 220, 222, 224, 226, 228, 230,
232, 234, 236, 238, 240, 242, 244, 246, 248, 250, 252,
254, 256, 258, 260, 262, 264, 266, 268, 270, 272, 274,
276, 278, 280, 282, 284, 286, 288, 290, 292, 294, 296 および
298.

40

【0016】

に記載する、全長遺伝子のアミノ酸配列に関する。

第6の関連態様においては、85%以上のアミノ酸配列同一性を構成する全長遺伝子を、相互の同一性に応じて分類した。代表的なアミノ酸グループおよびそれぞれの種を表III

50

に示す。

【0017】

第7態様において本発明は、SEQ.ID.No. 299～357に記載したフラグメントのアミノ酸配列に関する。

第8の関連態様においては、90%以上のアミノ酸配列同一性を構成するフラグメントを、第1シトクロムp450ドメインUXXRXXZから第3シトクロムドメインGXRX0（これらにおいて、UはEまたはKであり、Xは任意のアミノ酸であり、ZはR、T、SまたはMである）までに対応する領域におけるそれら相互の同一性に応じて分類した。代表的なアミノ酸グループおよびそれぞれの種を表IVに示す。

【0018】

第9の関連態様においては、RNAウイルス系を用いてタバコ属植物におけるp450酵素の減少、排除または過剰発現を一過性で達成できる。

得られる形質転換または感染した植物を、それらの表現型について評価する。これには当業者が一般に利用できる、内因性p450 RNA転写体、p450発現ペプチド、および植物代謝産物濃度の分析が含まれるが、これらに限定されない。

【0019】

第10の重要な態様において本発明はまた、p450酵素活性レベルが変化したトランスジェニックタバコ属系の作製に関する。本発明によれば、これらのトランスジェニック系はある酵素の発現を低下もしくは沈黙または増大させることによりタバコ属において表現型効果をもたらすのに有効な核酸配列を含む。そのような核酸配列には、

【0020】

【化4】

SEQ. ID. Nos. 1, 3, 5, 7, 9, 11, 13, 15, 17, 19, 21, 23, 25, 27, 29, 31, 33, 35, 37, 39, 41, 43, 45, 47, 49, 51, 53, 55, 57, 59, 61, 63, 65, 67, 69, 71, 73, 75, 77, 79, 81, 83, 85, 87, 89, 91, 95, 97, 99, 101, 103, 105, 107, 109, 111, 113, 115, 117, 119, 121, 123, 125, 127, 129, 131, 133, 135, 137, 139, 143, 145, 147, 149, 151, 153, 155, 157, 159, 161, 163, 165, 167, 169, 171, 173, 175, 177, 179, 181, 183, 185, 187, 189, 191, 193, 195, 197, 199, 201, 203, 205, 207, 209, 211, 213, 215, 217, 219, 221, 223, 225, 227, 229, 231, 233, 235, 237, 239, 241, 243, 245, 247, 249, 251, 253, 255, 257, 259, 261, 263, 265, 267, 269, 271, 273, 275, 277, 279, 281, 283, 285, 287, 289, 291, 293, 295 および 297.

【0021】

が含まれる。

本発明のきわめて重要な第11態様において、全長遺伝子もしくはそのフラグメントによるダウンレギュレーション能力または全長遺伝子による過剰発現能力をもつ本発明核酸を含む植物変種は、対照植物と比較して変化した代謝プロフィールをもつであろう。

【0022】

本発明の第12態様において、植物由来または植物外部からの代謝産物の生合成または分解を改変する際に、全長遺伝子もしくはそのフラグメントを用いた本発明核酸を含む植物変種は、内因性化学物質または植物有害生物に耐容するのに利用できるであろう。そのような核酸配列には、

10

20

30

40

50

【 0 0 2 3 】

【化5】

SEQ ID.

Nos. 1, 3, 5, 7, 9, 11, 13, 15, 17, 19, 21, 23, 25, 27,
29, 31, 33, 35, 37, 39, 41, 43, 45, 47, 49, 51, 53, 55,
57, 59, 61, 63, 65, 67, 69, 71, 73, 75, 77, 79, 81, 83,
85, 87, 89, 91, 95, 97, 99, 101, 103, 105, 107, 109, 111,
113, 115, 117, 119, 121, 123, 125, 127, 129, 131, 133,
135, 137, 139, 143, 145, 147, 149, 151, 153, 155, 157,
159, 161, 163, 165, 167, 169, 171, 173, 175, 177, 179,
181, 183, 185, 187, 189, 191, 193, 195, 197, 199, 201,
203, 205, 207, 209, 211, 213, 215, 217, 219, 221, 223,
225, 227, 229, 231, 233, 235, 237, 239, 241, 243, 245,
247, 249, 251, 253, 255, 257, 259, 261, 263, 265, 267,
269, 271, 273, 275, 277, 279, 281, 283, 285, 287, 289,
291, 293, 295 および 297.

10

20

30

【 0 0 2 4 】

が含まれる。

第13態様において本発明は、教示した核酸配列に対する実質的な核酸同一性をもつ遺伝子を含む植物、より好ましくはタバコ属のスクリーニングに関する。そのような植物が従来法による変種もしくはトランスジェニック変種を得るための品種改良プログラム、変異誘発プログラム、または天然の多様な植物集団の一部である場合、本発明の利用は厳密または実質的な同一性をもつ核酸配列を含む植物を同定および選択するのに有利であろう。実質的な核酸同一性についての植物スクリーニングは、核酸ハイブリダイゼーションおよびPCR分析を含めた（これらに限定されない）核酸検出プロトコルと共に核酸プローブを用いて植物核酸材料を評価することにより達成してもよい。核酸プローブは、

【 0 0 2 5 】

【化6】

SEQ ID 1,
3, 5, 7, 9, 11, 13, 15, 17, 19, 21, 23, 25, 27, 29, 31,
33, 35, 37, 39, 41, 43, 45, 47, 49, 51, 53, 55, 57, 59,
61, 63, 65, 67, 69, 71, 73, 75, 77, 79, 81, 83, 85, 87,
89, 91, 95, 97, 99, 101, 103, 105, 107, 109, 111, 113,
115, 117, 119, 121, 123, 125, 127, 129, 131, 133, 135,
137, 139, 143, 145, 147, 149, 151, 153, 155, 157, 159,
161, 163, 165, 167, 169, 171, 173, 175, 177, 179, 181,
183, 185, 187, 189, 191, 193, 195, 197, 199, 201, 203,
205, 207, 209, 211, 213, 215, 217, 219, 221, 223, 225,
227, 229, 231, 233, 235, 237, 239, 241, 243, 245, 247,
249, 251, 253, 255, 257, 259, 261, 263, 265, 267, 269,
271, 273, 275, 277, 279, 281, 283, 285, 287, 289, 291,
293, 295 および 297.

10

20

【0026】

に対応する教示した核酸配列またはそのフラグメントを含むことができる。

第14態様において本発明は、教示した核酸配列に対応する実質的なアミノ酸同一性をもつ植物遺伝子、より好ましくはタバコ属遺伝子の同定に関する。植物遺伝子(cDNAクローンおよびゲノムクローンが共に含まれる)、それらのcDNAおよびゲノムクローン、より好ましくはタバコ属に由来するものの同定は、核酸ハイブリダイゼーションおよびPCR分析を含めた(これらに限定されない)核酸検出プロトコルと共に核酸プローブを用いて植物cDNAライブラリーをスクリーニングすることにより達成してもよい。核酸プローブは、

【0027】

【化7】

30

SEQ ID 1, 3, 5, 7, 9,
11, 13, 15, 17, 19, 21, 23, 25, 27, 29, 31, 33, 35, 37,
39, 41, 43, 45, 47, 49, 51, 53, 55, 57, 59, 61, 63, 65,
67, 69, 71, 73, 75, 77, 79, 81, 83, 85, 87, 89, 91, 95,
97, 99, 101, 103, 105, 107, 109, 111, 113, 115, 117, 119,
121, 123, 125, 127, 129, 131, 133, 135, 137, 139, 143,
145 および 147.

40

【0028】

に対応する核酸配列またはそのフラグメントを含むことができる。

他の第15態様においては、教示したアミノ酸配列の一部または全体に対する抗体を用いて、ペプチドを発現するcDNA発現ライブラリーをスクリーニングしてもよい。そのような核酸配列には、

【0029】

【化8】

SEQ ID

2, 4, 8, 9, 10, 12, 14, 16, 18, 20, 22, 24, 26, 28, 30,
 32, 34, 36, 38, 40, 42, 44, 46, 48, 50, 52, 54, 56, 58,
 60, 62, 64, 66, 68, 70, 72, 74, 76, 78, 80, 82, 84, 86,
 88, 90, 92, 96, 98, 100, 102, 104, 106, 108, 110, 112,
 114, 116, 118, 120, 122, 124, 126, 128, 130, 132, 134,
 136, 138, 140, 144, 146, 148.

10

【0030】

が含まれる。

重要な第16態様において本発明はまた、過剰発現したp450酵素活性レベルをもつトランスジェニックタバコ属系の作製に関する。本発明によれば、これらのトランスジェニック系は、ある酵素の発現を増大させ、したがってタバコ属において表現型効果をもたらすのに有効な、全長遺伝子のアミノ酸配列をコードするすべての核酸配列を含む。そのような核酸配列には、

【0031】

【化9】

20

SEQ.

ID. 150, 152, 154, 156, 158, 160, 162, 164, 166, 168,
 170, 172, 174, 176, 178, 180, 182, 184, 186, 188, 190,
 192, 194, 196, 198, 200, 202, 204, 206, 208, 210, 212,
 214, 216, 218, 220, 222, 224, 226, 228, 230, 232, 234,
 236, 238, 240, 242, 244, 246, 248, 250, 252, 254, 256,
 258, 260, 262, 264, 266, 268, 270, 272, 274, 276, 278,
 280, 282, 284, 286, 288, 290, 292, 294, 296 および 298.

30

【0032】

が含まれる。

詳細な説明

定義

別途定義しない限り、本明細書中で用いるすべての技術用語および科学用語は本発明の属する技術分野の当業者が一般に理解しているものと同じ意味をもつ。Singleton et al. (1994) *Dictionary of Microbiology and Molecular Biology*, 第2版, John Wiley and Sons (ニューヨーク) は、当業者にとって本発明に用いる多くの用語の一般的な辞書となる。本明細書に述べるすべての特許および刊行物を本明細書に参照により援用する。本発明の目的に関して、下記の用語を以下に定義する。

40

【0033】

“酵素活性”は、脱メチル、ヒドロキシル化、エポキシド化、N-酸化、スルホ酸化、N-、S-およびO-脱アルキル、脱硫酸、脱アミノ、ならびにアゾ、ニトロおよびN-オキシド基の還元を含むものとする。用語“核酸”は、一本鎖または二本鎖、センスまたはアンチセンスのいずれかの形のデオキシリボヌクレオチドポリマーまたはリボヌクレオチドポリマーを表わし、別途限定しない限り、天然ヌクレオチドと同様な様式で核酸にハイブリダイズする既知の天然ヌクレオチドの類似体を含む。別途限定しない限り、具体的な核酸配列にはその相補体が含まれる。

50

【0034】

用語”作動可能な状態で結合した”、“作動可能な組合せにある”、“作動可能な順序で”は、核酸発現制御配列（たとえばプロモーター、シグナル配列、または転写因子結合部位のアレイ）と第2核酸配列の機能的結合を表わし、その際、発現制御配列は第2配列に対応する核酸の転写および/または翻訳に影響を及ぼす。

【0035】

用語”組換え体”を細胞に関して用いた場合、その細胞はヘテロロガス核酸を複製し、その核酸を発現し、あるいはヘテロロガス核酸がコードするペプチド、ヘテロロガスペプチドまたはタンパク質を発現することを示す。組換え細胞は、天然（非組換え）形の細胞内にみられないセンス形またはアンチセンス形の遺伝子または遺伝子フラグメントを発現することができる。組換え細胞は、天然形の細胞中にみられる遺伝子であるが人為的手段で修飾されて再導入されたものである遺伝子も発現することができる。

【0036】

”構造遺伝子”は、タンパク質、ポリペプチドまたはその一部をコードするDNAセグメントを含み、転写の開始を誘導する5'側配列を除いた、遺伝子部分である。あるいは、構造遺伝子は翻訳できない生成物をコードしてもよい。構造遺伝子は、細胞中に普通にみられるものであるか、あるいはその細胞またはそれを導入した細胞部位には普通はみられないものであり、この場合、それは”ヘテロロガス遺伝子”と呼ばれる。ヘテロロガス遺伝子は、全体または一部が、当技術分野で知られているいずれの供給源に由来するものであってもよい。これには、細菌性ゲノムもしくはエピソーム、真核細胞、核もしくはプラスミドのDNA、cDNA、ウイルスDNA、または化学合成DNAが含まれる。構造遺伝子は、生物活性もしくはその特性、発現生成物の生物活性もしくは化学構造、発現速度または発現制御様式に影響を及ぼす1以上の修飾を含むことができる。そのような修飾には1個以上のヌクレオチドの変異、挿入、欠失および置換が含まれるが、これらに限定されない。構造遺伝子は中断されていないコード配列を構成するか、あるいは適宜なスプライスジャンクションが結合した1以上のイントロンを含んでもよい。構造遺伝子は、翻訳可能または翻訳不可能な場合があり、アンチセンス配向のものも含まれる。構造遺伝子は、複数の供給源または複数の遺伝子配列（天然または合成；ここで合成とは化学的に合成されたDNAを表わす）に由来するセグメントの複合体であってもよい。

【0037】

”に由来する（誘導される）”は、ある供給源（化学的または生物学的）から採取、入手、受容、追跡、複製または伝承したことを表わすために用いられる。誘導体は、元の供給源の化学的または生物学的操作（置換、付加、挿入、欠失、抽出、単離、変異形成および複製が含まれるが、これらに限定されない）により調製してもよい。

【0038】

DNA配列に関して”化学的に合成した”とは、成分ヌクレオチドの部分がインピトロで組み立てられたことを意味する。手動によるDNAの化学合成は、十分に確立された方法を用いて達成できる（Caruthers, Methodology of DNA and RNA Sequencing, (1983), Weisman (編)、Praeger Publishers、ニューヨーク、1章）；自動化学合成は、多数の市販機器のいずれかを用いて実施できる。

【0039】

比較のための最適アラインメントは、Smith and Waterman, Adv. Appl. Math. 2:482 (1981)の局部相同アルゴリズム、Needleman and Wunsch, J. Mol. Biol. 48:443 (1970)の相同アラインメントアルゴリズム、Pearson and Lipman, Proc. Natl. Acad. Sci. (U.S.A.) 85:2444 (1988)の類似体探索法、これらのアルゴリズムを電子化した処理系（GAP、BESTFIT、FASTA、およびTFASTA；Wisconsin Genetics Software Package、Genetics Computer Group、575 Science Dr., Madison, Wis.）、またはインスペクションにより行うことができる。

【0040】

NCBI Basic Local Alignment Search Tool (BLAST) (Altschul et al., 1990) は、Na

10

20

30

40

50

tional Center for Biological Information (NCBI、メリーランド州ベセスダ) を含めた幾つかの供給業者から、またインターネット上で配列分析プログラムblastp、blastn、blastx、tblastn、tblastxと組み合わせて使用するものとして入手できる。これは、<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/BLAST/>においてアクセスできる。このプログラムを用いて配列同一性を決定する方法の説明は、http://www.ncbi.nlm.nih.gov/BLAST/blast_help.htmlにおいて入手できる。

【0041】

本明細書中で用いる、アミノ酸配列に適用した用語“実質的なアミノ酸同一性”または“実質的なアミノ酸配列同一性”は、ポリペプチドの特徴を表わすものであり、その際ペプチドは、翻訳されたペプチドのシトクロムp450モチーフGXRXCX (G/A) に続く第1アミノ酸から終止コドンまでに対応する領域にわたる参照グループと対比して、少なくとも70%の配列同一性、好ましくは少なくとも80%の配列同一性、より好ましくは少なくとも90%の配列同一性、最も好ましくは少なくとも99~100%の配列同一性をもつ配列を含む。
10

【0042】

本明細書中で用いる、核酸配列に適用した用語“実質的な核酸同一性”または“実質的な核酸配列同一性”は、ポリヌクレオチドの特徴を表わすものであり、その際ポリヌクレオチドは、翻訳されたペプチドのシトクロムp450モチーフGXRXCX (G/A) に続く第1核酸から終止コドンまでに対応する領域にわたる参照グループと対比して、少なくとも75%の配列同一性、好ましくは少なくとも81%の配列同一性、より好ましくは少なくとも91%の配列同一性、最も好ましくは少なくとも99~100%の配列同一性をもつ配列を含む。
20

【0043】

ヌクレオチド配列が実質的に同一であることの他の指標は、ストリンジエント条件下で2分子が互いにハイブリダイズするかどうかである。ストリンジエント条件は配列依存性であり、異なる状況では異なるであろう。一般にストリンジエント条件は、定められたイオン強度およびpHで、個々の配列の熱融解温度(T_m)より約5~約20 低く、通常は約10~約15 低くなるように選択される。 T_m は(定められたイオン強度およびpH下で)、ターゲット配列の50%が適正対合プローブにハイブリダイズする温度である。一般にストリンジエント条件は、塩濃度が約0.02M、pH7、温度が少なくとも約60 の条件であろう。たとえば標準ササンプロット法において、ストリンジエント条件は6×SSC中、42 での初期洗浄、続いて0.2×SSC中、少なくとも約55 、一般に約60 、しばしば約65 の温度で1回以上の追加洗浄を含むであろう。
30

【0044】

ヌクレオチド配列は、それらがコードするポリペプチドおよび/またはタンパク質が実質的に同一である場合にも、本発明の目的に關して実質的に同一である。したがって、第1核酸配列が第2核酸配列と本質的に同じポリペプチドをコードする場合、第2核酸配列は、遺伝子コードにより許容される縮重のためストリンジエント条件下でハイブリダイズしなくとも、実質的に同一である(コドン縮重および遺伝子コードの説明についてはDarnell et al. (1990) Molecular Cell Biology, 第2版を参照、Scientific American Books W.H.Freeman and Company、ニューヨーク)。タンパク質の純度または均一性は、当技術分野で周知のいくらかの手段で、たとえばタンパク質試料のポリアクリルアミドゲル電気泳動、続いて染色に際しての視覚化により示すことができる。特定の目的には高分解能が必要な場合があり、HPLCまたはこれに類する精製手段を利用してもよい。
40

【0045】

本明細書中で用いる用語“ベクター”は、DNAセグメント(1以上)を細胞へ伝達する核酸分子に關して使用される。ベクターはDNAを複製するために使用してもよく、宿主細胞内で独立して増殖してもよい。用語“ビヒクル”が、時には“ベクター”と互換性をもって用いられる。本明細書中で用いる用語“発現ベクター”は、目的とするコード配列および作動可能な状態で結合したコード配列をその宿主生物において発現するのに必要な適切な核酸配列を含む、組換えDNA分子を表わす。真核細胞において発現するのに必要な核酸配列は、通常はプロモーター、オペレーター(場合による)、およびリボソーム結合部
50

位、ならびにしばしば他の配列を含む。真核細胞にはプロモーター、エンハンサー、ならびに終止およびポリアデニル化シグナルが使われることが知られている。

【0046】

遺伝子工学的に作製した、根をもつ完全な植物を再生する目的で、たとえばインビオ接種またはいずれか既知のインビトロ組織培養法などいずれかの方法で核酸を植物細胞に挿入して、完全な植物に再生できる形質転換植物細胞を作製することができる。よって、たとえば、植物細胞への挿入は病原性または非病原性アグロバクテリウム・ツメファシエンス (*A. tumefaciens*) によるインビトロ接種であってもよい。他のそのような組織培養法も採用してもよい。

【0047】

”植物組織”には、分化および未分化の植物組織が含まれ、これには根、茎、葉、花粉、種子、腫瘍組織、および多様な形態の培養細胞、たとえば単細胞、プロトプラスト、胚芽およびカルス組織が含まれるが、これらに限定されない。植物組織は、*in planta*、または器官、組織または細胞培養の状態であってよい。

【0048】

本明細書中で用いる用語”植物細胞”には、*in planta*植物細胞、ならびに培養されている植物細胞およびプロトプラストが含まれる。

”cDNA”または”相補的DNA”は、一般にRNA分子に相補的なヌクレオチド配列をもつ一本鎖DNA分子を表わす。cDNAは、酵素である逆転写酵素のRNA錆型上での作用により形成される。

【0049】

核酸配列を得る方法

本発明によれば、コンバーター (converter) および非コンバーター (non-converter) タバコ属系のタバコ属組織からRNAを抽出した。次いで抽出RNAを用いてcDNAを作製した。次いで本発明の核酸配列を2方法で作製した。

【0050】

第1法では、ポリA富化RNAを植物組織から抽出し、逆転写PCRによりcDNAを作製した。次いでこの一本鎖cDNAを用い、ディジエネレートプライマーとオリゴd(T)リバースプライマーを使用して、p450特異的PCR集団を作製した。このプライマー設計は、p450の高度保存モチーフに基づいた。特異的ディジエネレートプライマーの例を図1に示す。適切なサイズの挿入配列を含むプラスミドからの配列フラグメントを、さらに分析した。これらのサイズの挿入配列は、用いるプライマーに応じて一般に約300～約800ヌクレオチドであった。

【0051】

第2法では、まずcDNAライブラリーを構築した。プラスミド中のcDNAを用い、ディジエネレートプライマーとリバースプライマーとしてのプラスミド中T7プライマーを使用して、p450特異的PCR集団を作製した。第1法と同様に、適切なサイズの挿入配列を含むプラスミドからの配列フラグメントを、さらに分析した。

【0052】

高レベルのノルニコチンを産生することが知られているタバコ属植物系(コンバーター)および検出できないレベルのノルニコチンを含む植物系を出発材料として使用できる。

次いで植物から葉を切り取り、エチレンで処理して、本明細書に定めるp450酵素活性を高める。当技術分野で公知の方法により全RNAを抽出する。次いでPCR (RT-PCR) により、図153に記載したオリゴd(T)プライマーを用いて、cDNAフラグメントを形成することができる。次いで、本明細書の実施例に詳述するように、cDNAライブラリーを構築できる。

【0053】

p450型酵素の保存領域をディジエネレートプライマーの錆型として使用できる(図75)。ディジエネレートプライマーを用いて、p450特異的バンドをPCRにより増幅することができる。p450様の酵素を指示するバンドをDNA配列決定法により同定できる。PCRフラグメントをBLAST検索、アラインメントまたは他のツールにより解明して、適切な候補を同

定することができる。

【0054】

同定したフラグメントからの配列情報を用いて、PCRプライマーを開発できる。これらのプライマーをcDNAライブラリー中のプラスミドプライマーと組み合わせ用いて、全長p450遺伝子をクローニングすることができる。大規模サザン逆分析を実施して、得られたすべてのフラグメントクローニングおよび場合により全長クローニングについて、差異発現を調べることができる。本発明のこの態様においては、クローニングしたすべての挿入配列をスクリーニングするために、クローニングDNAフラグメントとハイブリダイズするプローブとして種々の組織に由来する標識した全cDNAを用いて、これらの大規模サザン逆アッセイを実施できる。

10

【0055】

非放射性および放射性(P^{32})ノーザンプロットアッセイ法を用いて、クローニングp450フラグメントおよび全長クローニングを解明することもできる。

数種類の全長クローニングに対して、それらのアミノ酸配列を誘導し、抗原性でありかつ他のクローニングと対比してユニークであるペプチド領域を選択することにより、ペプチド特異的抗体を生成した。キャリヤータンパク質に結合した合成ペプチドに対するウサギ抗体を形成した。これらの抗体を用いて、植物組織についてウェスタンプロット分析または他の免疫学的方法を実施した。

【0056】

前記により同定した核酸配列を、ウイルス誘発による遺伝子サイレンシング法により検査することができる(VIGS、Baulcombe, *Current Opinions in Plant Biology*, 1999, 2: 109-113)。

20

【0057】

数種類の全長クローニングについて、それらのアミノ酸配列を誘導し、潜在的に抗原性でありかつ他のクローニングと対比してユニークであるペプチド領域を選択することにより、ペプチド特異的抗体を生成した。キャリヤータンパク質に結合した合成ペプチドに対するウサギ抗体を形成した。これらの抗体を用いて、ウェスタンプロット分析を実施した。

【0058】

本発明の他の態様において、干渉RNA法(RNAi)を用いて、本発明のタバコ属植物におけるシトクロムp450酵素活性をさらに解明した。この方法について記載した下記の参考文献を本明細書に参照により援用する:

30

【0059】

【化10】

Smith et al., *Nature*, 2000, 407:319-320; Fire et al., *Nature*, 1998, 391:306-311; Waterhouse et al., *PNAS*, 1998, 95:13959-13964; Stalberg et al., *Plant Molecular Biology*, 1993, 23:671-683; Baulcombe, *Current Opinions in Plant Biology*, 1999, 2:109-113; および Brigneti et al., *EMBO Journal*, 1998, 17(22):6739-6746.

40

【0060】

RNAi法、アンチセンス法、または記載された他の多様な方法を用いて、植物を形質転換することができる。

外来遺伝子材料を植物細胞に導入し、導入した遺伝子を安定に保持して発現する植物を得るための方法が幾つかある。そのような方法には、微粒子に被覆した遺伝子材料を細胞内へ直接に加速挿入するものが含まれる(USP 4,945,050 (Cornell) および 5,141,131 (DowEanco))。アグロバクテリウム法により植物を形質転換することができる; 参照: USP 5,177,010 (University of Tredo)、5,104,310 (Texas A&M)、欧州特許出願0131624B

50

1、 欧州特許出願120516、159418B1、 欧州特許出願120516、159418B1および176,112 (Schipperoot) 、 USP 5,149,645、5,469,976、5,464,763および4,940,838および4,693,976 (Schipperoot) 、 欧州特許出願116718、290799、320500 (すべてMaxPlanck) 、 欧州特許出願604662および627752 (Japan Nicotiana) 、 欧州特許出願0267159および0292435ならびにUSP 5,231,019 (すべてCiba Geigy) 、 USP 5,463,174および4,762,785 (両方ともCalgene) 、 ならびにUSP 5,004,863および5,159,135 (両方ともAgracetus) 。他の形質転換法には、ホイスカー (whisker) 法が含まれる ; 参照 : USP 5,302,523および5,464,765 (両方ともZeneca) 。エレクトロポレーション法も植物の形質転換に用いられている ; 参照 : WO 87/06614 (Boyce Thompson Institute) 、 5,472,869および5,384,253 (両方ともDekalb) 、 WO 9209696およびWO 9321335 (両方ともPGS) 。これらすべての形質転換特許および刊行物を本明細書に参照により援用する。多数の植物形質転換方法のほか、外来遺伝子と接触させる組織のタイプも多様であってよい。そのような組織には胚芽形成組織、カルス組織IおよびII型、幼茎 (hypocotyl) 、分裂組織 (meristem) などが含まれるが、これらに限定されない。ほとんどすべての植物組織は、脱分化の間に、当業者に自明の適切な方法で形質転換することができる。

10

20

30

40

【0061】

植物に導入する外来遺伝子材料は、選択マーカーを含んでもよい。特定のマーカーの好みは当業者の裁量によるが、選択マーカーとして機能できる本明細書に挙げていない他のいずれかの遺伝子のほか、下記のいずれかの選択マーカー使用できる。そのような選択マーカーには下記のものが含まれるが、これらに限定されない：抗生物質カナマイシン、ネオマイシンおよびG418に対する耐性をコードするトランスポゾンTn5 (Aph II) のアミノグリコシドホスホトランスフェラーゼ遺伝子；ならびに下記に対する耐性または耐容性をコードする遺伝子：グリホセート (glyphosate) ；ハイグロマイシン；メトトレキセート；ホスフィノスライシン (phophinothricin) (bar) ；イミダゾリノン類；スルホニル尿素類、およびトリアゾロピリミジン系除草剤、たとえばクロロスルフロン (chlorosulfuron) ；ブロモキシニル (bromoxynil) 、ダラポン (dalapon) など。

【0062】

選択マーカーのほか、レポーター遺伝子を用いることが望ましいであろう。場合により、選択マーカーなしにレポーター遺伝子を使用してもよい。レポーター遺伝子は、レシピエント生物または組織中に一般に存在または発現しない遺伝子である。レポーター遺伝子は一般に、ある表現型変化または酵素特性をもたらすタンパク質をコードする。そのような遺伝子の例はK.Weisung et al. Ann.Rev.Genetics, 22, 421 (1988)に示されており、これを本明細書に援用する。好ましいレポーター遺伝子には、グルクロニダーゼ (GUS) 遺伝子およびGFP遺伝子が含まれるが、これらに限定されない。

【0063】

植物組織に導入すると、構造遺伝子の発現を当技術分野で公知のいずれかの手段でアッセイしてもよく、そして発現を、転写されたmRNA、合成されたタンパク質、または起きる遺伝子サイレンシングの量として測定してもよい (参照 : USP 5,583,021、これを本明細書に参照により援用する)。植物組織をインビトロ培養し、そしていくらかの場合、全植物体に再生するための方法は、公知である (欧州特許出願88810309.0)。導入した発現複合体を商業的に有用な栽培品種に伝達する方法は当業者に既知である。

【0064】

目的レベルのp450酵素を発現する植物細胞が得られると、当技術分野で周知の方法および技術により、これから植物組織および全植物体を再生することができる。次いで一般的な植物栽培技術により再生植物を増殖させ、そして導入した遺伝子を他の株および栽培品種に一般的な植物育種技術により伝達することができる。

【0065】

以下の実施例は本発明の実施方法を説明するためのものであり、特許請求の範囲に定めた本発明の範囲を限定するものではなく、説明するものと解すべきである。

【実施例】

50

【0066】

実施例実施例1：植物組織の発生およびエチレン処理植物の生育

植物をポットに播種し、温室内で4週間生育させた。4週令の幼植物を個別のポットに移植し、温室内で2カ月間生育させた。生育中は、1日2回、150ppmのNPK肥料を入れた水を植物に施した。広がった緑葉を植物から切り取り、下記のエチレン処理を行った。

【0067】

細胞系78379

University of Kentuckyが公開したバーレー種タバコ系であるタバコ78379系を植物材料源として用いた。タバコ栽培技術分野の標準法に従って100本の植物を栽培し、移植し、識別番号(1~100)のタグを付けた。施肥および野外管理を推奨に従って実施した。 10

【0068】

100本の植物のうち3/4が、20~100%のニコチンをノルニコチンに変換した。100本の植物のうち1/4は、5%未満のニコチンをノルニコチンに変換した。植物番号87は最小変換率(2%)、植物番号21は100%の変換率を示した。変換率3%未満の植物を非コンバーターと分類した。植物番号87および植物番号21の自家受粉種子、ならびに交配(21×87、および87×21)種子を作り、遺伝子および表現型の相異を調べた。自家受粉した21からの植物はコンバーターであり、87からの自家受粉体の99%は非コンバーターであった。87からの植物の他の1%は低い変換率(5~15%)を示した。相互交配体からの植物はすべてコンバーターであった。 20

【0069】

細胞系4407

バーレー系であるタバコ4407系を植物材料源として用いた。均一な代表的植物(100本)を選び、タグを付けた。100本の植物のうち97本が非コンバーターであり、3本はコンバーターであった。植物番号56は最小量の変換(1.2%)、植物番号58は最高レベル変換率(96%)を示した。これら2本の植物で自家受粉種子と交配種子を作った。 30

【0070】

自家受粉した58からの植物は、3:1のコンバーター対非コンバーター比で分離した。植物58-33および58-25を、それぞれホモ接合コンバーターおよび非コンバーター植物系と同定した。58-33の次世代子孫の分析により、その安定な変換を確認した。 30

【0071】

細胞系PBLB01

PBLB01は、ProfiGen Inc.が開発したバーレー系であり、これを植物材料源として用いた。コンバーター植物をPBLB01の原種から選択した。

【0072】

エチレン処理法

温室内で2~3カ月間生育させた植物から緑葉を切り取り、0.3%エチレン溶液(製品名Ethephon(Rhone-Poulenc))を噴霧した。噴霧した葉をそれぞれ加湿器付き熟成ラックに吊るし、プラスチックでカバーした。処理期間中、試料葉に定期的にエチレン溶液を噴霧した。エチレン処理の約24~48時間後、RNA抽出用の葉を採集した。他のサブサンプルを、葉の代謝産物濃度およびより具体的な目的成分、たとえば多様なアルカロイドを測定するための代謝成分分析用に採取した。 40

【0073】

一例として、アルカロイド分析を下記に従って実施した。試料(0.1g)を、0.5mLの2N NaOHおよび5mLの抽出溶液(内標準としてのキノリン、およびメチル β -ブチルエーテルを含有)と共に150rpmで振とうした。FID検出器を備えたHP 6890 GCにより試料を分析した。検出器およびインジェクターに250°Cの温度を用いた。5%フェノールおよび95%メチルシリコーンで架橋した融解シリカを含有するHPカラム(30m×0.32nm \times 1m)を、110~185°C、10°C/分の温度勾配で用いた。100°C、流速1.7 cm 3 min $^{-1}$ 、スプリット比40:1で、キャ

リヤーガスとしてヘリウムを用い、2・1の注入体積でカラムを操作した。

【0074】

実施例2：RNAの単離

RNA抽出のために、2カ月齢の温室生育植物からの中間葉を、前記に従ってエチレンで処理した。0時間目および24～48時間目の試料をRNA抽出に用いた。場合により、花頭除去後10日目の植物から老化過程下の葉試料を採取した。これらの試料も抽出に用いた。Rneasy Plant Mini Kit(登録商標)(Quiagen Inc.、カリフォルニア州バレンシア)により、製造業者のプロトコルに従って全RNAを単離した。

【0075】

組織試料をDEPC処理した乳鉢と乳棒により液体窒素下で粉碎して微粉末にした。約100 mgの粉碎組織を無菌の1.5mlエッペンドルフ試験管に移した。すべての試料を採取するまで、この試料試験管を液体窒素下に置いた。次いで、キットで提供された緩衝液RLT(メルカプトエタノールを添加)450μlを個々の試験管に添加した。試料を56℃で3分間、激しく渦攪拌およびインキュベートした。次いで2mlの採取管内に置いたQIAshredder(商標)スピニカラムに溶解液を入れ、最大速度で2分間、遠心分離した。フロースルーを採取し、この清澄な溶解液に0.5体積のエタノールを添加した。試料を十分に混合し、2mlの採取管内に置いたRneasy(登録商標)ミニスピニカラムに移した。試料を10,000 rpmで1分間、遠心分離した。次いで700μlの緩衝液RW1をピペットでRneasy(登録商標)カラムに装入し、10,000 rpmで1分間、遠心分離した。緩衝液RPEをピペットで新たな採取管内のRneasy(登録商標)カラムに装入し、10,000 rpmで1分間、遠心分離した。緩衝液RPEを再びRneasy(登録商標)スピニカラムに添加し、最大速度で2分間、遠心分離して、膜を乾燥させた。エタノールのキャリーオーバーを排除するために、膜を別の採取管に入れ、最大速度でさらに1分間、遠心分離した。Rneasy(登録商標)カラムを新たな1.5mlの採取管内に移し、Rnaseを含有しない水40μlをピペットで直接Rneasy(登録商標)膜に乗せた。この最終溶出管を10,000 rpmで1分間、遠心分離した。変性ホルムアルデヒドゲルおよび分光光度計により、全RNAの品質および量を分析した。

【0076】

Oligotex(商標)ポリA+RNA精製キット(Quiagen Inc.)を用いて、製造業者のプロトコルに従ってポリ(A)RNAを単離した。約200μgの全RNAを最大体積250μlで用いた。体積50μlの緩衝液OBBおよび15μlのOligotex(商標)懸濁液を、250μlの全RNAに添加した。内容物をピッティングによって十分に混合し、加熱ブロック上、70℃で3分間インキュベートした。次いで試料を約20分間、室温に置いた。Oligotex:mRNA複合体を最大速度で2分間の遠心分離によりペレット化した。50μl以外のすべての上清をミクロ遠心管から除去した。試料をさらにOBB緩衝液で処理した。Oligotex:mRNAペレットを400μlの緩衝液OW2に渦攪拌により再懸濁した。この混合物を、新たな試験管に入れた小スピニカラムに移し、最大速度で1分間、遠心分離した。スピニカラムを新たな試験管に移し、さらに400μlの緩衝液OW2をカラムに添加した。次いで試験管を最大速度で1分間、遠心分離した。スピニカラムを1.5mlの最終ミクロ遠心管に移した。試料を60ulの熱(70℃)緩衝液OEBで溶離した。ポリA生成物を変性ホルムアルデヒドゲルおよび分光光度計により分析した。

【0077】

実施例3：逆転写PCR

SuperScript逆転写酵素を用い、製造業者(Invitrogen、カリフォルニア州カールスバッド)のプロトコルに従って第1鎖cDNAを調製した。ポリA+富化RNA/オリゴdTプライマーミックスは、5μg未満の全RNA、1μlの10mM dNTPミックス、1μlのオリゴd(T)₁₂₋₁₈(0.5μg/μl)、および10μlに至るまでのDEPC処理水からなっていた。各試料を65℃で5分間インキュベートし、次いで少なくとも1分間、氷上に置いた。下記の各成分を順に添加することにより反応混合物を調製した：2μlの10×RT緩衝液、4μlの25mM MgCl₂、2μlの0.1M DTT、および1μlのRNase OUT Recombinant RNase阻害剤。9μlの反応混合物をピペットで各RNA/プライマー混合物に添加し、穏やかに混合した。これを42℃で2分間インキュベートし、1μlのSuperScript II(商標)RTを各試験管に添加した。試験管を42℃で50

10

20

30

40

50

分間インキュベートした。70℃で15分間、反応を停止し、氷冷した。試料を遠心分離により採集し、1μlのRNase Hを各試験管に添加し、37℃で20分間インキュベートした。200pmolのフォワードプライマー（図75のディジェネレートプライマー、SEQ.ID.No. 149-156）および100pmolのリバースプライマー（18ntオリゴd(T)の後に1個のランダム塩基をもつものの混合物）を用いて、2回目のPCRを実施した。

【0078】

反応条件は94℃で2分間の後、40サイクルのPCRを実施した：94℃で1分間、45~60℃で2分間、72℃で3分間、さらに72℃で10分間の伸長。

増幅試料10μlを、1%アガロースゲルを用いる電気泳動により分析した。適正サイズのフラグメントをアガロースゲルから精製した。

10

【0079】

実施例4：PCRフラグメント集団の作製

実施例3からのPCRフラグメントを、製造業者の指示に従ってpGEM-T（登録商標）Easy Vector（Promega、ウィスコンシン州マディソン）にライゲートした。ライゲート生成物をJM109コンピテント細胞に形質転換し、ブルー/ホワイトセレクション用のLB培地プレートに接種した。コロニーを選択し、1.2mlのLB培地を含む96ウェルプレート内で、37℃において一夜増殖させた。選択したすべてのコロニーについて凍結原液を調製した。プレートからのプラスミドDNAを、BeckmanのBiomek 2000 miniprep roboticsにより、Wizard SV Miniprep（登録商標）キット（Promega）を用いて精製した。プラスミドDNAを100μlの水で溶離し、96ウェルプレートに保存した。プラスミドをEcoR1で消化し、1%アガロースゲルを用いて分析し、DNA量および挿入配列のサイズを確認した。400~600bpの挿入配列を含有するプラスミドを、CEQ 2000シークエンサー（Beckman、カリフォルニア州フラートン）により配列決定した。これらの配列を、BLAST検索によりGenBankデータベースとアラインさせた。p450関連フラグメントを同定し、さらに分析した。あるいは、p450フラグメントをサブストラクションライブラリーから単離した。これらのフラグメントも前記と同様に分析した。

20

【0080】

実施例5：cDNAライブラリーの構築

エチレン処理した葉から下記に従って全RNAを調製することにより、cDNAライブラリーを構築した。まず、エチレン処理したタバコ58-33系の葉から、改変した酸性フェノールおよびクロロホルム抽出プロトコルにより全RNAを抽出した。プロトコルを改変して、1gの粉碎組織を用い、次いで5mlのフェノール（pH5.5）および5mlのクロロホルムを添加した抽出用緩衝液（100mM トリス-HCl、pH8.5；200mM NaCl；10mM EDTA；0.5% SDS）5ml中で渦撹拌した。抽出試料を遠心分離し、上清を蓄えた。上清が透明に見えるまで、この抽出工程をさらに2~3回繰り返した。約5mlのクロロホルムを添加して、痕跡量のフェノールを除去した。3倍体積のETOHおよび1/10体積の3M NaOAc（pH5.2）を添加して-20℃に1時間保存することにより、合わせた上清画分からRNAを沈殿させた。Corexガラス容器に移した後、RNA画分を9,000 RPM、4℃で45分間、遠心分離した。ペレットを70%エタノールで洗浄し、9,000 RPM、4℃で5分間、遠心分離した。ペレットの乾燥後、RNaseを含まない水0.5mlにペレット状RNAを溶解した。RNaseを含まない水0.5mlにペレット状RNAを溶解した。全RNAの品質および量を、それぞれ変性ホルムアルデヒドゲルおよび分光光度計により分析した。

30

【0081】

得られた全RNAから、オリゴ(dT)セルロースプロトコル（Invitrogen）およびMicrocentrifugeスピンカラム（Invitrogen）により、下記のプロトコルに従ってポリA+RNAを単離した。約20gの全RNAを2回精製して、高品質ポリA+RNAを得た。変性ホルムアルデヒドゲル、続いて既知の全長遺伝子のRT-PCRを実施することにより、ポリA+RNA生成物を分析し、高品質のmRNAであることを確認した。

40

【0082】

次いでポリA+RNAを鋳型として用い、cDNA合成キットであるZAP-cDNA（登録商標）合成

50

キット、およびZAP-cDNA(登録商標)Gigapack(登録商標)III金クローニングキット(S tratagene、カリフォルニア州ラ・ホーヤ)を使用して、cDNAライブラリーを作製した。この方法は、詳述するように製造業者のプロトコルに従って行われた。約8μgのポリA+RNAをcDNAライブラリーの構築に用いた。一次ライブラリーの分析により、約 $2.5 \times 10^6 \sim 1 \times 10^7$ pfuであることが明らかになった。このライブラリーの品質バックグラウンド試験は、IPTGおよびX-galを用いる相補性アッセイにより行われ、組換えプラーカはバックグラウンド反応より100倍高く表示された。

【0083】

ランダムPCRによる、より定量的なライブラリー分析は、挿入cDNAの平均サイズが約1.2 kbであることを示した。この方法には、下記の2工程PCR法を用いた。第1工程として、p4 10 50フラグメントからの予備配列情報に基づいてリバースプライマーを設計した。設計したリバースプライマーおよびT3(フォワード)プライマーを用いて、cDNAライブラリーから対応する遺伝子を増幅した。PCR反応物をアガロース電気泳動し、対応する高分子量バンドを切り取り、精製、クローニングおよび配列決定した。第2工程では、フォワードプライマーとしてのp450の5'UTRまたは開始コード領域から設計した新たなプライマーをリバースプライマー(p450の3'UTRから設計)と共に後続PCRに用いて、全長p450クローンを得た。

【0084】

構築したcDNAライブラリーから、リバースプライマー以外は実施例3の記載に従ってPCR増幅によりp450フラグメントを生成した。プラスミド上、cDNA挿入配列の下流に位置するT7プライマー(図75参照)を、リバースプライマーとして用いた。実施例4の記載に従ってPCRフラグメントを単離、クローニングおよび配列決定した。

【0085】

構築したcDNAライブラリーから、PCR法により全長p450遺伝子を単離した。遺伝子特異的リバースプライマー(p450フラグメントの下流配列から設計)およびフォワードプライマー(ライブラリープラスミド上のT3)を用いて、全長遺伝子をクローニングした。PCRフラグメントを単離、クローニングおよび配列決定した。必要であれば、第2工程PCRを適用した。第2工程では、クローン化p450の5'UTRから設計した新たなフォワードプライマーを、p450クローンの3'UTRから設計したリバースプライマーと共に後続PCRに用いて、全長p450クローンを得た。次いでこれらのクローンを配列決定した。

【0086】

実施例6：クローン化フラグメントの解明 - 逆サザンプロット分析

前記の各実施例において同定したすべてのp450クローンについて、非放射性大規模逆サザンプロットアッセイを実施し、差異発現を検出した。異なるp450クラスター間で発現レベルが著しく異なることが認められた。高発現のものについては、さらにリアルタイム検出を実施した。

【0087】

下記に従って非放射性大規模逆サザンプロット法を実施した：

1) エチレン処理および非処理コンバーター(58-33)および非コンバーター(58-25)の葉から、実施例2の記載に従ってQuiagen Rnaeasyキットを用いて全RNAを抽出した。

【0088】

2) 前記工程で調製したポリA+富化RNA由来の一本鎖cDNAをビオチン-テイル標識することにより、プローブを作製した。この標識一本鎖cDNAは、実施例3の記載に従い、ただし、ビオチニル化オリゴdT(Promega)をプライマーとして用いて、コンバーターおよび非コンバーター全RNAのRT-PCR(Invitrogen)により作製された。これらをプローブとして用いて、クローン化DNAとハイブリダイズさせた。

【0089】

3) プラスミドDNAを制限酵素EcoR1で消化し、アガロースゲルに流した。同時にゲルを乾燥させ、2枚のナイロン膜(Biodyne B、登録商標)にトランスファーした。1枚の膜をコンバータープローブと、他方を非コンバータープローブとハイブリダイズさせた。ハイ

10

20

30

40

50

ブリダイゼーションの前に、膜をUV架橋させた（自己架橋設定、254nm、Stratagene、Stratalinker）。

【0090】

あるいは、p-GEMプラスミド、T3およびSP6の両アームに位置する配列をプライマーとして用いて、各プラスミドから挿入配列をPCR増幅した。96ウェルReady-to-runアガロースゲルに流すことにより、PCR生成物を分析した。確認された挿入配列を2枚のナイロン膜にドットした。1枚の膜をコンバータープローブと、他方を非コンバータープローブとハイブリダイズさせた。

【0091】

4) 膜をハイブリダイズさせ、製造業者の指示に従って洗浄ストリンジエンシーの改変法により洗浄した（Enzo MaxSence（商標）キット、Enzo Diagnostics Inc.、ニューヨーク州ファーミングデール）。膜を42℃で30分間、ハイブリダイゼーション緩衝液（2×SSC緩衝化ホルムアミド；界面活性剤およびハイブリダイゼーション促進剤を含有）と予備ハイブリダイズさせ、10μlの変性プローブと42℃で一夜ハイブリダイズさせた。次いで膜を1×ハイブリダイゼーション洗浄用緩衝液により洗浄した；室温で10分間を1回、68℃で15分間を4回。膜は検出できる状態となった。

【0092】

5) 洗浄した膜を、アルカリホスファターゼ標識、続いてNBT/BCIP比色検出により、製造業者（Enzo Diagnostics Inc.）の検出操作に従って検出した。膜を室温で1×プロッキング溶液により1時間ブロックし、洗浄し（1×検出試薬により10分間を3回、1×予備現像反応用緩衝液により5分間を2回）、次いでプロットを現像液中で30～45分間、ドットが現われるまで現像した。すべての試薬を製造業者（Enzo Diagnostics Inc.）から得た。さらに、KPLサザンハイブリダイゼーションおよび検出用キット（商標）を用い、製造業者（KPL、メリーランド州ガイザースバーグ）の指示に従って、大規模逆サザンアッセイも実施した。

【0093】

実施例7：クローンの解明 - ノーザンプロット分析

サザンプロット分析の代わりに、若干の膜をノーザンプロットアッセイ法の例に記載したようにハイブリダイゼーションおよび検出した。ノーザンハイブリダイゼーションを用い、下記に従って、タバコ属に差異発現するmRNAを検出した。

【0094】

ランダムプライミング法を用いて、クローン化p450からプローブを作製した（Megaprime（商標）DNA標識システム、Amersham Biosciences）。

下記の成分を混合した：25ngの変性DNA鑄型；4ulの各非標識dTTP、dGTPおよびdCTP；5ulの反応用緩衝液；³²P-標識dATPおよび2ulのクレノール；ならびに反応物を50μlにする量のH₂O。混合物を37℃で1～4時間インキュベートし、次いで2μlの0.5M EDTAで停止した。プローブを使用前に95℃で5分間インキュベートすることにより変性させた。

【0095】

数対のタバコ系の新鮮な葉をエチレン処理したものおよび処理しないものから、RNA試料を調製した。若干例では、ポリA+富化RNAを用いた。約15μgの全RNAまたは1.8μgのmRNA（RNAおよびmRNAの抽出法は実施例5に記載）を、DEPC H₂O（5～10μl）で等体積にした。同体積の装填用緩衝液（1×MOPS；18.5%のホルムアルデヒド；50%のホルムアミド；4%のFicoll1400；プロモフェノールブルー）および0.5μlのEtBr（0.5μg/μl）を添加した。次いで、電気泳動によるRNA分離のための調製物中で試料を変性させた。

【0096】

ホルムアルデヒドゲル（1%アガロース、1×MOPS、0.6Mホルムアルデヒド）上で1×MOPS緩衝液（0.4Mモルホリノプロパンスルホン酸；0.1M酢酸ナトリウム-3×H₂O；10mM EDTA；NaOHでpH7.2に調整）を用いて試料を電気泳動した。10×SSC緩衝液（1.5M NaCl；0.15Mクエン酸ナトリウム）中で24時間の毛管法により、RNAをHybond-N+膜（ナイロン、Amersham Pharmacia Biotech）にトランスファーした。RNA試料を含む膜を、ハイブリダイゼー

10

20

30

40

50

ションの前にUV架橋させた（自己架橋設定、254nm、Stratagene、Stratalinker）。

【0097】

膜を42℃で1~4時間、5~10mlの予備ハイブリダイゼーション緩衝液（5×SSC；50%のホルムアミド；5×デンハート液；1%のSDS；100μg/mlの熱変性剪断した非相同DNA）と予備ハイブリダイズさせた。使用済みの予備ハイブリダイゼーション緩衝液を廃棄し、新たな予備ハイブリダイゼーション緩衝液およびプローブを添加した。42℃で一夜、ハイブリダイゼーションを実施した。膜を2×SSCにより室温で15分間洗浄し、続いて2×SSCにより洗浄した。

【0098】

本発明の主な焦点は、エチレン処理の結果誘導される可能性のある、またはタバコの葉の品質および成分に重要な役割をもつ、新規な遺伝子の発見であった。次表に示すように、ノーザンプロット法および逆サザンプロット法は、非誘導植物と対比してエチレン処理により誘導された遺伝子を判定するのに有用であった。興味深いことに、コンバーターおよび非コンバーターにおいて、必ずしもすべてのフラグメントが同様に影響を受けたわけではない。目的とするシトクロムp450フラグメントを部分配列決定して、それらの構造関係を判定した。次いでこの情報を用いて、目的とする全長遺伝子クローニングを単離および解明した。

【0099】

【表1】

フラグメント	誘導された mRNA 発現	
	エチレン処理	コンバーター
D56-AC7 (SEQ ID No: 35)		+
D56-AG11 (SEQ ID No: 31)		+
D56-AC12 (SEQ ID No: 45)		+
D70A-AB5 (SEQ ID No: 95)		+
D73-AC9 (SEQ ID No: 43)		+
D70A-AA12 (SEQ ID No: 131)		+
D73A-AG3 (SEQ ID No: 129)		+
D34-52 (SEQ ID No: 61)		+
D56-AG6 (SEQ ID No: 51)		+

【0100】

エチレン処理により誘導したコンバーターおよび非コンバーターバリー系から得たタバコ組織について、全長クローニングを用いてノーザン分析を実施した。その目的は、エチレン誘導した非コンバーターバリー系と対比してエチレン誘導コンバーター系（と対比してエチレン誘導コンバーター系）において発現増大を示す全長クローニングを同定することであった。これによって、コンバーター系と非コンバーター系の葉の成分の生化学的相異を比較することにより全長クローニングの機能性関係を判定できる。次表に示すように、6クローニングが、非コンバーターの処理組織（+により表わされる）より有意に高い発現（++および+++により表わされる）をコンバーターのエチレン処理組織において示した。これらのすべてのクローニングが、エチレン処理しないコンバーター系および非コンバーター系において、ほとんどまたは全く発現を示さなかった。

【0101】

10

20

30

40

【表2】

全長クローン	コンバーター	非コンバーター
D101-BA2	++	+
D207-AA5	++	+
D208-AC8	+++	+
D237-AD1	++	+
D89-AB1	++	+
D90A-BB3	++	+

【0102】

実施例8：クローン化遺伝子によりコードされるp450の免疫検出

3種類のp450クローンに由来する20~22アミノ酸に対応するペプチド領域を、下記について選択した：1)他のクローンに対する相同性が低いか、または相同性がない、ならびに2)良好な親水性および抗原性をもつ。各p450クローンから選択したペプチド領域のアミノ酸配列を下記に挙げる。合成ペプチドをKHLと結合させ、次いでウサギに注射した。4回目の注射の後、2および4週目に抗血清を採集した(Alpha Diagnostic Int'l. Inc.、テキサス州サン・アントニオ)。

【0103】

【化11】

D234-AD1 DIDGSKSKLVKAHRKIDEILG

D90a-BB3 RDAFREKETFDENDVEELNY

D89-AB1 FKNNGDEDRHFSQKLGDLADKY

【0104】

タバコ植物組織由来のターゲットタンパク質に対する交差反応性について、抗血清をウェスタンプロット分析により検査した。エチレン処理(0~40時間)したコンバーター系および非コンバーター系の中間葉から粗製タンパク質抽出物を得た。抽出物のタンパク質濃度を、RC DCタンパク質アッセイキット(BIO-RAD)により、製造業者のプロトコルに従って測定した。

【0105】

Laemmli SDS-PAGEシステムを用い、2μgのタンパク質を各列に装填して、10%~20%勾配ゲル上でタンパク質を分離した。タンパク質をゲルからPROTRAN(登録商標)ニトロセルロースransfer膜(Schleicher & Schuell)へ、Trans-Blot(登録商標)Semi-Dryセル(BIO-RAD)によりtransfereした。ECL Advance(商標)ウェスタンプロットティング検出キット(Amersham Biosciences)により、ターゲットp450タンパク質を検出および視覚化した。合成KLH結合体に対する一次抗体をウサギにおいて形成させた。ペルオキシダーゼと結合したウサギIgGに対する二次抗体をSigmaから購入した。一次抗体および二次抗体を共に1:1000の希釈度で使用した。抗体は、ウェスタンプロット上の単一バンドに対して強い反応性を示し、これは、抗血清は目的とするターゲットペプチドに対して単一特異性であったことを示している。抗血清は、KLHに結合した合成ペプチドとも交差反応性であった。

【0106】

実施例9：単離核酸フラグメントの核酸同一性および構造関連性

100を超えるクローン化p450フラグメントをノーザンプロット分析と組み合わせて配列決定し、それらの構造関連性を判定した。用いた方法には、p450遺伝子のカルボキシル末

端付近に位置する2つの共通p450モチーフのいずれかに基づくフォワードプライマーを使用した。これらのフォワードプライマーは、シトクロムp450モチーフFXPERFまたはGRRXCP (A/G) に対応していた(図1に記載)。リバースプライマーには、プラスミド(pGEM(登録商標)プラスミドの両アーム上に位置するSP6もしくはT7)、またはポリアテイル由来する標準プライマーを用いた。用いたプロトコルを以下に記載する。

【0107】

分光光度計を用い、製造業者(Beckman Coulter)のプロトコルに従って、出発二本鎖DNAの濃度を推定した。鑄型を水で適宜な濃度に希釈し、95 10に2分間加熱することにより変性させ、次いで氷に乗せた。氷上で、0.5~10 μlの変性DNA鑄型、2 μlの1.6pmolフォワードプライマー、8 μlのDTCS Quick Start Master Mixを用い、水で全体積を20 μlにして、配列決定反応物を調製した。サーモサイクリングプログラムは、下記のサイクル30回からなっていた: 96 10で20秒間、50 10で20秒間、60 10で4分間、続いて4 20に保持。

【0108】

5 μlの停止用緩衝液(等体積の3M NaOAcおよび100mM EDTA、ならびに1 μlの20mg/mlグリコーゲン)の添加により配列決定を停止した。試料を60 μlの冷95%エタノールで沈殿させ、6000gで6分間、遠心分離した。エタノールを廃棄した。ペレットを200 μlの冷70%エタノールで2回洗浄した。ペレットが乾燥した後、40 μlのSLS溶液を添加し、ペレットを再懸濁した。鉛油の層を乗せた。次いで試料をさらに分析するためにCEQ 8000自動シーケンサーに装入した。

【0109】

核酸配列を確認するために、p450遺伝子のFXPERFもしくはGRRXCP (A/G) 領域に対するフォワードプライマー、またはプラスミドもしくはポリアテイルに対するリバースプライマーを用いて、両方向に核酸配列を再決定した。すべての配列決定を、両方向に少なくとも2回実施した。

【0110】

シトクロムp450フラグメントの核酸配列を、GRRXCP (A/G) モチーフをコードする領域の後の第1核酸に対応するコード領域から終止コドンまで、互いに比較した。この領域を、p450タンパク質間の遺伝的多様性の指標として選択した。他の植物種の場合と同様に、70種類を超える遺伝的に異なる多数のp450遺伝子が観察された。核酸配列を比較すると、これらの遺伝子はそれらの配列同一性に基づいて異なる配列グループに分類できることが認められた。最良のユニークな分類によるp450メンバーは、75%以上の核酸同一性をもつ配列であると判定されるものであることが見いだされた(表Iに示す)。同一性%を下げる、有意に大きなグループになった。好ましい分類は81%以上の核酸同一性をもつ配列、より好ましい分類は91%以上の核酸同一性をもつ配列、最も好ましい分類は99%以上の核酸同一性をもつ配列について認められた。大部分のグループが少なくとも2つのメンバー、しばしば3つ以上のメンバーを含んでいた。他は繰り返して見いだされず、採用した方法は、用いた組織において低発現および高発現する両方のmRNAを単離できたことを示唆する。

【0111】

75%以上の核酸同一性に基づけば、2つのシトクロムp450グループが、そのグループ内のものと遺伝的に異なる従来のタバコシトクロム遺伝子に対して核酸配列同一性を含むことが見いだされた。グループ23は、表Iに用いたパラメーター内で、それぞれCzernicら、およびRalstonらの従来のGenBank配列GI:1171579 (CAA64635) およびGI:14423327 (AAK62346) に対して、核酸同一性を示した。GI:1171579はグループ23のメンバーに対して96.9~99.5%の核酸同一性をもち(グループ23のメンバーに対する同一性)、一方GI:14423327はこのグループのメンバーに対して95.4~96.9%の核酸同一性をもっていた。グループ31のメンバーは、RalstonらによるGenBank報告配列GI:14423319 (AAK62342) に対して76.7~97.8%の同一性をもっていた。表Iの他のp450同一性グループはいずれも、Ralstonら、Czernicら、Wangら、またはLaRosaおよびSmigockiが報告したタバコ属p450遺伝子に対して、表Iで用いたパラメーター同一性を含まなかった。

【 0 1 1 2 】

図76に示すように、タバコ属植物からの各グループの他のメンバーを優先的に同定および単離するために、グループに適切な核酸縮重プローブとのコンセンサス配列を誘導できる。

【 0 1 1 3 】

【表3】

表I：タバコ属 p450 核酸配列同一性グループ

グループ フラグメント

10

1 D58-BG7 (SEQ ID No.:1), D58-AB1 (SEQ ID No.:3); D58-BE4
(SEQ ID No.:7)

2 D56-AH7 (SEQ ID No.:9); D13a-5 (SEQ ID No.:11)

3 D56-AG10 (SEQ ID No.:13); D35-33 (SEQ ID No.:15);
D34-62 (SEQ ID No.:17)

4 D56-AA7 (SEQ ID No.:19); D56-AE1 (SEQ ID No.:21);
185-BD3 (SEQ ID No.:143)

20

5 D35-BB7 (SEQ ID No.:23); D177-BA7 (SEQ ID No.:25);
D56A-AB6 (SEQ ID No.:27); D144-AE2 (SEQ ID No.:29)

6 D56-AG11 (SEQ ID No.:31); D179-AA1 (SEQ ID No.:33)

7 D56-AC7 (SEQ ID No.:35); D144-AD1 (SEQ ID No.:37)

8 D144-AB5 (SEQ ID No.:39)

30

9 D181-AB5 (SEQ ID No.:41); D73-Ac9 (SEQ ID No.:43)

10 D56-AC12 (SEQ ID No.:45)

11 D58-AB9 (SEQ ID No.:47); D56-AG9 (SEQ ID No.:49);
D56-AG6 (SEQ ID No.:51); D35-BG11 (SEQ ID No.:53); D35-42
(SEQ ID No.:55); D35-BA3 (SEQ ID No.:57); D34-57 (SEQ ID
No.:59); D34-52 (SEQ ID No.:61); D34-25 (SEQ ID No.:63)

40

12 D56-AD10 (SEQ ID No.:65)

13 D56-AA11 (SEQ ID No.:67)

14 D177-BD5 (SEQ ID No.:69); D177-BD7 (SEQ ID No.:83)

【 0 1 1 4 】

【表4】

- 15 D56A-AG10 (SEQ ID No.:71); D58-BC5 (SEQ ID No.:73);
D58-AD12 (SEQ ID No.:75)
- 16 D56-AC11 (SEQ ID No.:77); D35-39 (SEQ ID No.:79);
D58-BH4 (SEQ ID No.:81); D56-AD6 (SEQ ID No.:87)
- 17 D73A-AD6 (SEQ ID No.:89); D70A-BA11 (SEQ ID No.:91)
- 18 D70A-AB5 (SEQ ID No.:95); D70A-AA8 (SEQ ID No.:97) 10
- 19 D70A-AB8 (SEQ ID No.:99); D70A-BH2 (SEQ ID No.:101);
D70A-AA4 (SEQ ID No.:103)
- 20 D70A-BA1 (SEQ ID No.:105); D70A-BA9 (SEQ ID No.:107)
- 21 D70A-BD4 (SEQ ID No.:109)
- 22 D181-AC5 (SEQ ID No.:111); D144-AH1 (SEQ ID No.:113);
D34-65 (SEQ ID No.:115) 20
- 23 D35-BG2 (SEQ ID No.:117)
- 24 D73A-AH7 (SEQ ID No.:119)
- 25 D58-AA1 (SEQ ID No.:121); D185-BC1 (SEQ ID No.:133);
D185-BG2 (SEQ ID No.:135)
- 26 D73-AE10 (SEQ ID No.:123)
- 27 D56-AC12 (SEQ ID No.:125) 30
- 28 D177-BF7 (SEQ ID No.:127); D185-BE1 (SEQ ID No.:137);
D185-BD2 (SEQ ID No.:139)
- 29 D73A-AG3 (SEQ ID No.:129)
- 30 D70A-AA12 (SEQ ID No.:131); D176-BF2 (SEQ ID No.:85)
- 31 D176-BC3 (SEQ ID No.:145)
- 32 D176-BB3 (SEQ ID No.:147) 40
D186-AH4 (SEQ ID No.:5)

【0115】

実施例10：単離した核酸フラグメントの関連アミノ酸配列同一性

実施例8からのシトクロムp450フラグメントについて得た核酸配列のアミノ酸配列を推定した。推定領域は、GXRXCP(A/G)配列モチーフ直後のアミノ酸からカルボキシル末端の末尾または終止コドンまでに対応していた。フラグメントの配列同一性を比較すると、70%以上のアミノ酸同一性をもつ配列についてユニークな分類がみられた。80%以上のアミノ酸同一性をもつ配列について好ましい分類がみられ、90%以上のアミノ酸同一性をもつ配列についてより好ましい分類、99%以上のアミノ酸同一性をもつ配列について最も好ま

しい分類がみられた。これらのグループおよびグループメンバーの対応するアミノ酸配列を図2に示す。幾つかのユニーク核酸配列は他のフラグメントに対して完全なアミノ酸同一性をもつことが認められ、したがって同一アミノ酸をもつ1メンバーのみを報告した。

【0116】

表IIのグループ19のアミノ酸同一性は、それらの核酸配列に基づけば3つの異なるグループに対応していた。各グループメンバーのアミノ酸配列およびそれらの同一性を図77に示す。アミノ酸の相異は適宜マークしてある。

【0117】

各アミノ酸同一性グループの少なくとも1メンバーを、遺伝子クローニングおよび植物を用いた機能試験のために選択した。さらに、エチレン処理によって異なる影響を受けたグループメンバー、またはノーザンおよびサザン分析により評価した他の生物学的相異をもつメンバーを、遺伝子クローニングおよび機能試験のために選択した。遺伝子クローニング、発現試験および全植物体評価を補助するために、配列同一性および差異配列に基づいてペプチド特異的抗体を作製する。

【0118】

【表5】

表II:タバコ属p450アミノ酸配列同一性グループ

グループ フラグメント

1	D58-BG7 (SEQ ID No.:2), D58-AB1 (SEQ ID No.:4)	10
2	D58-BE4 (SEQ ID No.:8)	
3	D56-AH7 (SEQ ID No.:10); D13a-5 (SEQ ID No.:12)	
4	D56-AG10 (SEQ ID No.:14); D34-62 (SEQ ID No.:18)	
5	D56-AA7 (SEQ ID No.:20); D56-AE1 (SEQ ID No.:22); 185-BD3 (SEQ ID No.:144)	20
6	D35-BB7 (SEQ ID No.:24); D177-BA7 (SEQ ID No.:26); D56A-AB6 (SEQ ID No.:28); D144-AE2 (SEQ ID No.:30)	
7	D56-AG11 (SEQ ID No.:32); D179-AA1 (SEQ ID No.:34)	
8	D56-AC7 (SEQ ID No.:36); D144-AD1 (SEQ ID No.:38)	
9	D144-AB5 (SEQ ID No.:40)	
10	D181-AB5 (SEQ ID No.:42); D73-Ac9 (SEQ ID No.:44)	
11	D56-AC12 (SEQ ID No.:46)	30
12	D58-AB9 (SEQ ID No.:48); D56-AG9 (SEQ ID No.:50); D56-AG6 (SEQ ID No.:52); D35-BG11 (SEQ ID No.:54); D35-42 (SEQ ID No.:56); D35-BA3 (SEQ ID No.:58); D34-57 (SEQ ID No.:60); D34-52 (SEQ ID No.:62)	
13	D56AD10 (SEQ ID No.:66)	
14	56-AA11 (SEQ ID No.:68)	40
15	D177-BD5 (SEQ ID No.:70); D177-BD7 (SEQ ID No.:84)	

【0119】

【表6】

16 D56A-AG10 (SEQ ID No.:72); D58-BC5 (SEQ ID No.:74);
D58-AD12 (SEQ ID No.:76)

17 D56-AC11 (SEQ ID No.:78); D56-AD6 (SEQ ID No.:88)

18 D73A-AD6 (SEQ ID No.90:)

19 D70A-AB5 (SEQ ID No.:96); D70A-AB8 (SEQ ID No.:100);
D70A-BH2 (SEQ ID No.:102); D70A-AA4 (SEQ ID No.:104); D70A-
BA1 (SEQ ID No.:106); D70A-BA9 (SEQ ID No.:108)

10

20 D70A-BD4 (SEQ ID No.:110)

21 D181-AC5 (SEQ ID No.:112); D144-AH1 (SEQ ID No.:114);
D34-65 (SEQ ID No.:116)

22 D35-BG2 (SEQ ID No.:118)

20

23 D73A-AH7 (SEQ ID No.:120)

24 D58-AA1 (SEQ ID No.:122); D185-BC1 (SEQ ID No.:134);
D185-BG2 (SEQ ID No.:136)

25 D73-AE10 (SEQ ID No.:124)

26 D56-AC12 (SEQ ID No.:126)

27 D177-BF7 (SEQ ID No.:128); 185-BD2 (SEQ ID No.:140)

28 D73A-AG3 (SEQ ID No.:130)

30

29 D70A-AA12 (SEQ ID No.:132); D176-BF2 (SEQ ID No.:86)

30 D176-BC3 (SEQ ID No.:146)

31 D176-BB3 (SEQ ID No.:148)

32 D186-AH4 (SEQ ID No.:6)

【0120】

実施例11：全長クローンの関連アミノ酸配列同一性

実施例5においてクローニングした全長タバコ属遺伝子の核酸配列からそれらの全アミノ酸配列を推定した。シトクロムp450遺伝子を3つの保存p450ドメインモチーフの存在により同定した；これらはカルボキシル末端のUXXRXXZ、PXRFXFまたはGXRXCに対応し、これらにおいてUはEまたはKであり、Xは任意のアミノ酸であり、ZはP、T、SまたはMである。これらのクローンのうち2つ、D130-AA1およびD101-BA2はほぼ完全であるが、適切な終止コドンを欠如し、ただし両方とも3つすべてのp450シトクロムドメインを含むことも認められた。BLASTプログラムを用い、それらの全長配列を相互および既知のタバコ遺伝子と比較して、すべてのp450遺伝子のアミノ酸同一性を解明した。このプログラムにはNCBI特殊BLASTツールを用いた（2配列をアラインする（b12seq）、<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/blast/b12seq/b12.html>）。2配列を、核酸配列についてはフィルターなしBLASTN、アミノ酸配列についてはBLASTP下でアラインさせた。それらのアミノ酸同一性%に基づいて、

40

50

各配列を同一性グループに分類した。この分類は、他のメンバーとの少なくとも85%の同一性をもつメンバーを含んでいた。90%以上のアミノ酸同一性をもつ配列について好ましい分類がみられ、95%以上のアミノ酸同一性をもつ配列についてより好ましい分類、99%以上のアミノ酸同一性をもつ配列について最も好ましい分類がみられた。これらの基準を用いて、25のユニークなグループを同定し、表IIIに示した。

【0121】

アミノ酸同一性について表IIIに用いたパラメーター内で、3グループが既知のタバコ遺伝子に対して85%以上の同一性を含むことが見いだされた。グループ5のメンバーは、Ralstonらによる従来のGenBank配列GI:14423327（またはAAK62346）に対して最高96%のアミノ酸同一性をもっていた。グループ23は、RalstonらによるGI:14423328（またはAAK62347）に対して最高93%のアミノ酸同一性をもっていた。グループ24は、RalstonらによるGI:14423318（またはAAK62343）に対して92%のアミノ酸同一性をもっていた。

【0122】

【表7】

表III：全長タバコ属p450遺伝子のアミノ酸配列同一性グループ

- 1 D208-AD9 (SEQ. ID. No. 224); D120-AH4 (SEQ. ID. No. 180); D121-AA8 (SEQ. ID. No. 182), D122-AF10 (SEQ. ID. No. 184); D103-AH3 (SEQ. ID. No. 222); D208-AC8 (SEQ. ID. No. 218); D-235-ABI (SEQ. ID. No. 246) 20
- 2 D244-AD4 (SEQ. ID. No. 250); D244-AB6 (SEQ. ID. No. 274); D285-AA8; D285-AB9; D268-AE2 (SEQ. ID. No. 270)
- 3 D100A-AC3 (SEQ. ID. No. 168); D100A-BE2
- 4 D205-BE9 (SEQ. ID. No. 276); D205-BG9 (SEQ. ID. No. 202); D205-AH4 (SEQ. ID. No. 294) 30
- 5 D259-AB9 (SEQ. ID. No. 260); D257-AE4 (SEQ. ID. No. 268); D147-AD3 (SEQ. ID. No. 194)
- 6 D249-AE8 (SEQ. ID. No. 256); D-248-AA6 (SEQ. ID. No. 254)
- 7 D233-AG7 (SEQ. ID. No. 266; D224-BD11 (SEQ. ID. No. 240); DAF10
- 8 D105-AD6 (SEQ. ID. No. 172); D215-AB5 (SEQ. ID. No. 220); D135-AE1 (SEQ. ID. No. 190) 40

【0123】

【表8】

9 D87A-AF3 (SEQ. ID. No. 216), D210-BD4 (SEQ. ID. No. 262)
 10 D89-AB1 (SEQ. ID. No. 150); D89-AD2 (SEQ. ID. No. 152); 163-AG11 (SEQ. ID. No. 198); 163-AF12 (SEQ. ID. No. 196)
 11 D267-AF10 (SEQ. ID. No. 296); D96-AC2 (SEQ. ID. No. 160); D96-AB6 (SEQ. ID. No. 158); D207-AA5 (SEQ. ID. No. 204); D207-AB4 (SEQ. ID. No. 206); D207-AC4 (SEQ. ID. No. 208) 10
 12 D98-AG1 (SEQ. ID. No. 164); D98-AA1 (SEQ. ID. No. 162)
 13 D209-AA12 (SEQ. ID. No. 212); D209-AA11; D209-AH10 (SEQ. ID. No. 214); D209-AH12 (SEQ. ID. No. 232); D90a-BB3 (SEQ. ID. No. 154)
 14 D129-AD10 (SEQ. ID. No. 188); D104A-AE8 (SEQ. ID. No. 170) 20
 15 D228-AH8 (SEQ. ID. No. 244); D228-AD7 (SEQ. ID. No. 241), D250-AC11 (SEQ. ID. No. 258); D247-AH1 (SEQ. ID. No. 252)
 16 D128-AB7 (SEQ. ID. No. 186); D243-AA2 (SEQ. ID. No. 248); D125-AF11 (SEQ. ID. No. 228)
 17 D284-AH5 (SEQ. ID. No. 298); D110-AF12 (SEQ. ID. No. 176) 30
 18 D221-BB8 (SEQ. ID. No. 234)
 19 D222-BH4 (SEQ. ID. No. 236)
 20 D134-AE11 (SEQ. ID. No. 230)
 21 D109-AH8 (SEQ. ID. No. 174)
 22 D136-AF4 (SEQ. ID. No. 278)
 23 D237-AD1 (SEQ. ID. No. 226)
 24 D112-AA5 (SEQ. ID. No. 178)
 25 D283-AC1 (SEQ. ID. No. 272) 40

【0 1 2 4】

全長遺伝子を、カルボキシル末端の末尾付近のUXXRXXZ p450ドメインとGXRXC p450ドメイン間の高度保存アミノ酸相同性に基づいてさらに分類した。図3に示すように、個々のクローニングの保存ドメイン間の配列相同性を調べるために相互にアラインし、個別の同一性グループに入れた。数例において、そのクローニングの核酸配列はユニークであるが、その領域に関するアミノ酸配列は同一であった。90%以上のアミノ酸同一性をもつ配列について好ましい分類がみられ、より好ましいグループは95%以上のアミノ酸同一性をもち、最も好ましいグループは99%以上のアミノ酸同一性をもっていた。最終分類は、クローニングの全アミノ酸配列についての同一性%に基づくものに類似していた。ただしグループ17(表11 50

Iの) を除く。これは2つの別個のグループに分類された。

【 0 1 2 5 】

アミノ酸同一性について表IVに用いたパラメーター内で、3グループが既知のタバコ遺伝子に対して90%以上の同一性を含むことが見いだされた。グループ5のメンバーは、Ralstonらによる従来のGenBank配列GI:14423326(またはAAK62346)に対して最高93.4%のアミノ酸同一性をもっていた。グループ23は、RalstonらによるGI:14423328(またはAAK62347)に対して最高91.8%のアミノ酸同一性をもっていた。グループ24は、RalstonらによるGI:14423318(またはAAK62342)に対して98.8%のアミノ酸同一性をもっていた。

【 0 1 2 6 】

表IV：タバコ属p450遺伝子の保存ドメイン間のアミノ酸配列同一性グループ

10

【 0 1 2 7 】

【表9】

1 1 D208-AD9 (SEQ. ID. No. 224); D120-AH4 (SEQ. ID. No. 180); D121-AA8 (SEQ. ID. No. 182), D122-AF10 (SEQ. ID. No. 184); D103-AH3 (SEQ. ID. No. 222); D208-AC8 (SEQ. ID. No. 218); D-235-ABI (SEQ. ID. No. 246)
 2 D244-AD4 (SEQ. ID. No. 250); D244-AB6 (SEQ. ID. No. 274); D285-AA8; D285-AB9; D268-AE2 (SEQ. ID. No. 270)
 3 D100A-AC3 (SEQ. ID. No. 168); D100A-BE2 10
 4 D205-BE9 (SEQ. ID. No. 276); D205-BG9 (SEQ. ID. No. 202); D205-AH4 (SEQ. ID. No. 294)
 5 D259-AB9 (SEQ. ID. No. 260); D257-AE4 (SEQ. ID. No. 268); D147-AD3 (SEQ. ID. No. 194)
 6 D249-AE8 (SEQ. ID. No. 256); D-248-AA6 (SEQ. ID. No. 254)
 7 D233-AG7 (SEQ. ID. No. 266; D224-BD11 (SEQ. ID. No. 240); DAF10 20
 8 D105-AD6 (SEQ. ID. No. 172); D215-AB5 (SEQ. ID. No. 220); D135-AE1 (SEQ. ID. No. 190)
 9 D87A-AF3 (SEQ. ID. No. 216), D210-BD4 (SEQ. ID. No. 262)
 10 D89-AB1 (SEQ. ID. No. 150); D89-AD2 (SEQ. ID. No. 152); 30
 163-AG11 (SEQ. ID. No. 198); 163-AF12 (SEQ. ID. No. 196)
 11 D267-AF10 (SEQ. ID. No. 296); D96-AC2 (SEQ. ID. No. 160); D96-AB6 (SEQ. ID. No. 158); D207-AA5 (SEQ. ID. No. 204); D207-AB4 (SEQ. ID. No. 206); D207-AC4 (SEQ. ID. No. 208)
 12 D98-AG1 (SEQ. ID. No. 164); D98-AA1 (SEQ. ID. No. 162)
 13 D209-AA12 (SEQ. ID. No. 212); D209-AA11; D209-AH10 (SEQ. ID. No. 214); D209-AH12 (SEQ. ID. No. 232);
 D90a-BB3 (SEQ. ID. No. 154) 40

【0 1 2 8】

【表10】

14 D129-AD10 (SEQ. ID. No. 188); D104A-AE8 (SEQ. ID. No. 170)

15 D228-AH8 (SEQ. ID. No. 244); D228-AD7 (SEQ. ID. No. 241), D250-AC11 (SEQ. ID. No. 258); D247-AH1 (SEQ. ID. No. 252)

16 D128-AB7 (SEQ. ID. No. 186); D243-AA2 (SEQ. ID. No. 248); D125-AF11 (SEQ. ID. No. 228)

17 D284-AH5 (SEQ. ID. No. 298); D110-AF12 (SEQ. ID. No. 176)

18 D221-BB8 (SEQ. ID. No. 234)

19 D222-BH4 (SEQ. ID. No. 236)

20 D134-AE11 (SEQ. ID. No. 230)

21 D109-AH8 (SEQ. ID. No. 174)

22 D136-AF4 (SEQ. ID. No. 278)

23 D237-AD1 (SEQ. ID. No. 226)

24 D112-AA5 (SEQ. ID. No. 178)

25 D283-AC1 (SEQ. ID. No. 272)

26 D110-AF12 (SEQ. ID. No. 176)

10

20

30

40

50

【0129】

実施例12：1以上のタバコシトクロムp450特異的ドメインを欠如するタバコ属シトクロムp450クローン

4クローンが、表IIIに報告した他のタバコシトクロム遺伝子に対して核酸相同性90~99%に及ぶ高度の核酸相同性をもっていた。これらの4クローンには、D136-AD5、D138-AD12、D243-AB3およびD250-AC11が含まれていた。しかし、ヌクレオチドフレームシフトのため、これらの遺伝子はシトクロムp450の3つのC-末端ドメイン1以上を欠如し、表IIIまたは表IVに示す同一性グループから除外された。

【0130】

1つのクローンD95-AG1のアミノ酸同一性は、表IIIまたは表IVのp450タバコ遺伝子に用いた第3ドメインGXRXCを含まなかった。このクローンの核酸相同性は、他のタバコシトクロム遺伝子に対する相同性が低かった。このクローンは、タバコ属の新規な異なるシトクロムp450遺伝子グループである。

【0131】

実施例13：タバコ特性の調節変更における、タバコ属シトクロムp450フラグメントおよびクローンの使用

タバコp450核酸フラグメントまたは全遺伝子の使用は、タバコ表現型またはタバコ成分が変化した植物、より重要な例では代謝が変化した植物を、同定および選択するのに有用である。本明細書に報告するものから選択される核酸フラグメントまたは全長遺伝子を、ダウンリギュレーション配向（たとえばアンチセンス配向）、または過剰発現（たとえばセンス配向）で含む多様な形質転換系により、トランスジェニックタバコ植物を作製する。全長遺伝子の過剰発現のためには、本発明に記載する全長遺伝子のアミノ酸配列の全体または機能性部分をコードする核酸配列が望ましい。これらはある酵素の発現を増大させるのに有効であり、したがってタバコ属の表現型効果をもたらす。ホモ接合系であるタバ

コ属系を一連の戻し交配により得て、内因性p450 RNA、転写体、p450発現ペプチド、および植物代謝産物の濃度の分析を含めて（これらに限定されない）、当業者が一般に利用できる方法で、表現型の変化を評価する。タバコ植物において示される変化は、選択した当該遺伝子の機能的役割についての情報を提供し、あるいは好ましいタバコ属植物種として有用である。

【0132】

以上の詳細な本発明の記載を考慮すると、当業者は本発明を実施する際に多数の改変および変更をなしうると予想される。したがってそのような改変および変更は本発明の特許請求の範囲に含まれるものとする。

【図面の簡単な説明】

【0133】

【図1】図1は、核酸SEQ.ID.No. 1およびアミノ酸SEQ.ID.No. 2を示す。

【図2】図2は、核酸SEQ.ID.No. 3およびアミノ酸SEQ.ID.No. 4を示す。

【図3】図3は、核酸SEQ.ID.No. 5およびアミノ酸SEQ.ID.No. 6を示す。

【図4】図4は、核酸SEQ.ID.No. 7およびアミノ酸SEQ.ID.No. 8を示す。

【図5】図5は、核酸SEQ.ID.No. 9およびアミノ酸SEQ.ID.No. 10を示す。

【図6】図6は、核酸SEQ.ID.No. 11およびアミノ酸SEQ.ID.No. 12を示す。

【図7】図7は、核酸SEQ.ID.No. 13およびアミノ酸SEQ.ID.No. 14を示す。

【図8】図8は、核酸SEQ.ID.No. 15およびアミノ酸SEQ.ID.No. 16を示す。

【図9】図9は、核酸SEQ.ID.No. 17およびアミノ酸SEQ.ID.No. 18を示す。

10

【図10】図10は、核酸SEQ.ID.No. 19およびアミノ酸SEQ.ID.No. 20を示す。

【図11】図11は、核酸SEQ.ID.No. 21およびアミノ酸SEQ.ID.No. 22を示す。

【図12】図12は、核酸SEQ.ID.No. 23およびアミノ酸SEQ.ID.No. 24を示す。

【図13】図13は、核酸SEQ.ID.No. 25およびアミノ酸SEQ.ID.No. 26を示す。

【図14】図14は、核酸SEQ.ID.No. 27およびアミノ酸SEQ.ID.No. 28を示す。

【図15】図15は、核酸SEQ.ID.No. 29およびアミノ酸SEQ.ID.No. 30を示す。

【図16】図16は、核酸SEQ.ID.No. 31およびアミノ酸SEQ.ID.No. 32を示す。

【図17】図17は、核酸SEQ.ID.No. 33およびアミノ酸SEQ.ID.No. 34を示す。

【図18】図18は、核酸SEQ.ID.No. 35およびアミノ酸SEQ.ID.No. 36を示す。

【図19】図19は、核酸SEQ.ID.No. 37およびアミノ酸SEQ.ID.No. 38を示す。

20

【図20】図20は、核酸SEQ.ID.No. 39およびアミノ酸SEQ.ID.No. 40を示す。

【図21】図21は、核酸SEQ.ID.No. 41およびアミノ酸SEQ.ID.No. 42を示す。

【図22】図22は、核酸SEQ.ID.No. 43およびアミノ酸SEQ.ID.No. 44を示す。

【図23】図23は、核酸SEQ.ID.No. 45およびアミノ酸SEQ.ID.No. 46を示す。

【図24】図24は、核酸SEQ.ID.No. 47およびアミノ酸SEQ.ID.No. 48を示す。

【図25】図25は、核酸SEQ.ID.No. 49およびアミノ酸SEQ.ID.No. 50を示す。

【図26】図26は、核酸SEQ.ID.No. 51およびアミノ酸SEQ.ID.No. 52を示す。

【図27】図27は、核酸SEQ.ID.No. 53およびアミノ酸SEQ.ID.No. 54を示す。

【図28】図28は、核酸SEQ.ID.No. 55およびアミノ酸SEQ.ID.No. 56を示す。

30

【図29】図29は、核酸SEQ.ID.No. 57およびアミノ酸SEQ.ID.No. 58を示す。

【図30】図30は、核酸SEQ.ID.No. 59およびアミノ酸SEQ.ID.No. 60を示す。

【図31】図31は、核酸SEQ.ID.No. 61およびアミノ酸SEQ.ID.No. 62を示す。

【図32】図32は、核酸SEQ.ID.No. 63およびアミノ酸SEQ.ID.No. 64を示す。

【図33】図33は、核酸SEQ.ID.No. 65およびアミノ酸SEQ.ID.No. 66を示す。

【図34】図34は、核酸SEQ.ID.No. 67およびアミノ酸SEQ.ID.No. 68を示す。

【図35】図35は、核酸SEQ.ID.No. 69およびアミノ酸SEQ.ID.No. 70を示す。

【図36】図36は、核酸SEQ.ID.No. 71およびアミノ酸SEQ.ID.No. 72を示す。

【図37】図37は、核酸SEQ.ID.No. 73およびアミノ酸SEQ.ID.No. 74を示す。

【図38】図38は、核酸SEQ.ID.No. 75およびアミノ酸SEQ.ID.No. 76を示す。

40

【図39】図39は、核酸SEQ.ID.No. 77およびアミノ酸SEQ.ID.No. 78を示す。

50

- 【図40】図40は、核酸SEQ.ID.No.79およびアミノ酸SEQ.ID.No.80を示す。
- 【図41】図41は、核酸SEQ.ID.No.81およびアミノ酸SEQ.ID.No.82を示す。
- 【図42】図42は、核酸SEQ.ID.No.83およびアミノ酸SEQ.ID.No.84を示す。
- 【図43】図43は、核酸SEQ.ID.No.85およびアミノ酸SEQ.ID.No.86を示す。
- 【図44】図44は、核酸SEQ.ID.No.87およびアミノ酸SEQ.ID.No.88を示す。
- 【図45】図45は、核酸SEQ.ID.No.89およびアミノ酸SEQ.ID.No.90を示す。
- 【図46】図46は、核酸SEQ.ID.No.91およびアミノ酸SEQ.ID.No.92を示す。
- 【図48】図48は、核酸SEQ.ID.No.95およびアミノ酸SEQ.ID.No.96を示す。
- 【図49】図49は、核酸SEQ.ID.No.97およびアミノ酸SEQ.ID.No.98を示す。
- 【図50】図50は、核酸SEQ.ID.No.99およびアミノ酸SEQ.ID.No.100を示す。 10
- 【図51】図51は、核酸SEQ.ID.No.101およびアミノ酸SEQ.ID.No.102を示す。
- 【図52】図52は、核酸SEQ.ID.No.103およびアミノ酸SEQ.ID.No.104を示す。
- 【図53】図53は、核酸SEQ.ID.No.105およびアミノ酸SEQ.ID.No.106を示す。
- 【図54】図54は、核酸SEQ.ID.No.107およびアミノ酸SEQ.ID.No.108を示す。
- 【図55】図55は、核酸SEQ.ID.No.109およびアミノ酸SEQ.ID.No.110を示す。
- 【図56】図56は、核酸SEQ.ID.No.111およびアミノ酸SEQ.ID.No.112を示す。
- 【図57】図57は、核酸SEQ.ID.No.113およびアミノ酸SEQ.ID.No.114を示す。
- 【図58】図58は、核酸SEQ.ID.No.115およびアミノ酸SEQ.ID.No.116を示す。
- 【図59】図59は、核酸SEQ.ID.No.117およびアミノ酸SEQ.ID.No.118を示す。
- 【図60】図60は、核酸SEQ.ID.No.119およびアミノ酸SEQ.ID.No.120を示す。 20
- 【図61】図61は、核酸SEQ.ID.No.121およびアミノ酸SEQ.ID.No.122を示す。
- 【図62】図62は、核酸SEQ.ID.No.123およびアミノ酸SEQ.ID.No.124を示す。
- 【図63】図63は、核酸SEQ.ID.No.125およびアミノ酸SEQ.ID.No.126を示す。
- 【図64】図64は、核酸SEQ.ID.No.127およびアミノ酸SEQ.ID.No.128を示す。
- 【図65】図65は、核酸SEQ.ID.No.129およびアミノ酸SEQ.ID.No.130を示す。
- 【図66】図66は、核酸SEQ.ID.No.131およびアミノ酸SEQ.ID.No.132を示す。
- 【図67】図67は、核酸SEQ.ID.No.133およびアミノ酸SEQ.ID.No.134を示す。
- 【図68】図68は、核酸SEQ.ID.No.135およびアミノ酸SEQ.ID.No.136を示す。
- 【図69】図69は、核酸SEQ.ID.No.137およびアミノ酸SEQ.ID.No.138を示す。
- 【図70】図70は、核酸SEQ.ID.No.139およびアミノ酸SEQ.ID.No.140を示す。 30
- 【図72】図71は、核酸SEQ.ID.No.143およびアミノ酸SEQ.ID.No.144を示す。
- 【図73】図72は、核酸SEQ.ID.No.145およびアミノ酸SEQ.ID.No.146を示す。
- 【図74】図73は、核酸SEQ.ID.No.147およびアミノ酸SEQ.ID.No.148を示す。
- 【図75】図74は、核酸SEQ.ID.No.149およびアミノ酸SEQ.ID.No.150を示す。
- 【図76】図75は、核酸SEQ.ID.No.151およびアミノ酸SEQ.ID.No.152を示す。
- 【図77】図76は、核酸SEQ.ID.No.153およびアミノ酸SEQ.ID.No.154を示す。
- 【図78】図77は、核酸SEQ.ID.No.155およびアミノ酸SEQ.ID.No.156を示す。
- 【図79】図78は、核酸SEQ.ID.No.157およびアミノ酸SEQ.ID.No.158を示す。
- 【図80】図79は、核酸SEQ.ID.No.159およびアミノ酸SEQ.ID.No.160を示す。
- 【図81】図80は、核酸SEQ.ID.No.161およびアミノ酸SEQ.ID.No.162を示す。 40
- 【図82】図81は、核酸SEQ.ID.No.163およびアミノ酸SEQ.ID.No.164を示す。
- 【図83】図83は、核酸SEQ.ID.No.165およびアミノ酸SEQ.ID.No.166を示す。
- 【図84】図84は、核酸SEQ.ID.No.167およびアミノ酸SEQ.ID.No.168を示す。
- 【図85】図85は、核酸SEQ.ID.No.169およびアミノ酸SEQ.ID.No.170を示す。
- 【図86】図86は、核酸SEQ.ID.No.171およびアミノ酸SEQ.ID.No.172を示す。
- 【図87】図87は、核酸SEQ.ID.No.173およびアミノ酸SEQ.ID.No.174を示す。
- 【図88】図88は、核酸SEQ.ID.No.175およびアミノ酸SEQ.ID.No.176を示す。
- 【図89】図89は、核酸SEQ.ID.No.177およびアミノ酸SEQ.ID.No.178を示す。
- 【図90】図90は、核酸SEQ.ID.No.179およびアミノ酸SEQ.ID.No.180を示す。
- 【図91】図91は、核酸SEQ.ID.No.181およびアミノ酸SEQ.ID.No.182を示す。 50

- 【図142】図142は、核酸SEQ.ID.No.283およびアミノ酸SEQ.ID.No.284を示す。
- 【図143】図143は、核酸SEQ.ID.No.285およびアミノ酸SEQ.ID.No.286を示す。
- 【図144】図144は、核酸SEQ.ID.No.287およびアミノ酸SEQ.ID.No.288を示す。
- 【図145】図145は、核酸SEQ.ID.No.289およびアミノ酸SEQ.ID.No.290を示す。
- 【図146】図146は、核酸SEQ.ID.No.291およびアミノ酸SEQ.ID.No.292を示す。
- 【図147】図147は、核酸SEQ.ID.No.293およびアミノ酸SEQ.ID.No.294を示す。
- 【図148】図148は、核酸SEQ.ID.No.295およびアミノ酸SEQ.ID.No.296を示す。
- 【図149】図149は、核酸SEQ.ID.No.297およびアミノ酸SEQ.ID.No.298を示す。
- 【図151-1】図151は、配列グループ間の比較を示す。
- 【図151-2】図151は、配列グループ間の比較を示す。
- 【図151-3】図151は、配列グループ間の比較を示す。
- 【図151-4】図151は、配列グループ間の比較を示す。
- 【図151-5】図151は、配列グループ間の比較を示す。
- 【図151-6】図151は、配列グループ間の比較を示す。
- 【図151-7】図151は、配列グループ間の比較を示す。
- 【図151-8】図151は、配列グループ間の比較を示す。
- 【図151-9】図151は、配列グループ間の比較を示す。
- 【図151-10】図151は、配列グループ間の比較を示す。
- 【図151-11】図151は、配列グループ間の比較を示す。
- 【図152-1】図152は、全長クローンのアラインメントを表わす。
- 【図152-2】図152は、全長クローンのアラインメントを表わす。
- 【図152-3】図152は、全長クローンのアラインメントを表わす。
- 【図152-4】図152は、全長クローンのアラインメントを表わす。
- 【図152-5】図152は、全長クローンのアラインメントを表わす。
- 【図153】図153は、PCRによるシトクロムp450 cDNAフラグメントのクローニングに用いた手順を示す。

10

20

【図1】

FIG. 1

SEQ ID 1 D58-B07
 1 GCACAACTT GCTTCAACT TGGTCAAC TATGGTGGGT
 61 CATTGTTGATC ATCATTTAC ATGGGGCTCC GCGCCGGGGG TTACCCGGG GGATATTGAC
 121 TTGGAGGAGA GCGCTGGAG AGAACTTAC AGAAATTCAG CAAACAGG TATTCGACT
 181 CCACAGATC CTGCAACTT GTAGGAGCT GCGCGGGG ATATCGAA
 SEQ ID 2 AQLAINLVTSMLGHLLHHHTWAPAPGVNPEDIDLEESPGTVTYMKNPQIAITPRLPAHLYGRVPVDM

【図2】

FIG. 2

SEQ ID 3 D58-AB1
 1 GCACAACTT GCTTCAACT TGGTCAAC TATGGTGGGT
 61 CATTGTTGATC ATCATTTAC ATGGGGCTCC GCGCCGGGGG TTACCCGGG GGATATTGAC
 121 TTGGAGGAGA GCGCTGGAG AGAACTTAC AGAAATTCAG CAAACAGG TATTCGACT
 181 CCACAGATC CTGCAACTT GTAGGAGCT GCGCGGGG ATATCGAA
 SEQ ID 4 AQLAINLVTSMLGHLLHHHTWAPAPGVNPEDIDLEESPGTVTYMKNPQIAITPRLPAHLYGRVPVDM

【図3】

FIG. 3

SEQ ID 5 D186-AH4
 1 ATGAACTAT TCAGTCAAG TGGACACACT TTCAATTGCT
 61 CATAATGATCC AAGGTTTCA TTGGCAACT AGCAGCAATG AGCCCTTGGG TATGAAACAA
 121 GGTGCGGGT TAATCTTAC AAAGAAGACT GATGTTGAGA TGCTAATTAC ACCTCGCTT
 181 CCTCTTACGC TTATCAATA TTAA
 SEQ ID 6 AQLSLQVEHLSLHMIQGFSATTNEPLDMRQGVGLTPKNTDVEVLITPRLPFLYQY

【図4】

FIG. 4

SEQ ID 7 D58-BE4
 1 GCACAACTT GCTTCAACT TGGTCAAC TATGGTGGGT
 61 CATTGTTGATC ATCATTTAC ATGGGGCTCC GCGCCGGGGG TTACCCGGG GGATATTGAC
 121 TTGGAGGAGA GCGCTGGAG AGAACTTAC AGAAATTCAG CAAACAGG TATTCGACT
 181 CCACAGATC CTGCAACTT GTAGGAGCT GCGCGGGG ATATCGAA
 SEQ ID 8 AQLAINLVTSMLGHLLHHHTWAPAPGVNPEDIDLEESPGTVTYMKNPQIAITPRLPAHLYGRVPVDM

【図9】

FIG. 9

SEQ ID 9 D34-62
 1 ATATATTTT GCGACATCTG TGACACATCT GACTTTGGT
 61 CGCTTGCTC AGGGTTTGA TTGGAGCTG CCATCAACAA CGGCACTAGA CATGAGAGA
 121 GCGCTAGCC TTACTTGGC TAAGTAAAT CAAGTGGAG TTCTTAATAG CCCTCGTTA
 181 CCTCTTAAGC TTAAAGTAACT CGGA
 SEQ ID 10 INFATLWHTLTFGRLLQGDFDSEPSNTPIDMTEGVGVTLPKVNQVEVLIPLPSKLYF

【図10】

FIG. 10

SEQ ID 19 D56A7
 1 ATTATACCT GCGATGCCA TTCTGGCAT CACTTTGGG
 61 CGTTGGCTC AGACATTTGA TTGGAGCTG CCTCCAGGGC AGTCGAAGCT CGACACACCA
 121 GAGAAAGGT GCGAGCTTAC TGCGCACATT TGAGGAGCT CGACACACCA
 181 AGGCTTCTC GA
 SEQ ID 20 IILALFILGITLGRQLVQNPFELLPPGQSKLDTTENGGQFSLHILKHSTTIVLKPNSF

【図11】

FIG. 11

SEQ ID 21 D56-AE1
 1 ATTATACCT GCGATGCCA TTCTGGCAT TACTTTGGG
 61 CGTTGGCTC AGACATTTGA TTGGAGCTG CCTCTGGGG AGTCGAAGCT CGACACACCA
 121 GAGAAAGGT GCGAGCTTAC TGCGCACATT TGAGGAGCT CGACACACCA
 181 AGGCTTCTC GA
 SEQ ID 22 IILALFILGITLGRQLVQNPFELLPPGQSKLDTTENGGQFSLHILKHSTTIVLKPNSF

【図12】

FIG. 12

SEQ ID 23 D58-BF7
 1 GCGCTGGGT GCGATGCCA CGATGCAACT TCGATGCTCA
 61 AATCTCTCTT ATGCACTTGA TTGGAGCTG CCTCTGGGG AGTCGAAGCT CGACACACCA
 121 ACACAGCCA GCGCTGGGT TACCGCACATT AGAGAAACG AGCTTATCT TATCCCTAA
 181 AATTAATCTAT AG
 SEQ ID 24 IALGVASMEALSNLLYAFDWELPYGVKKEIDITNVRPGIAMIHKNECLIPRNYL

【図5】

FIG. 5

SEQ ID 9 D56-AB7
 1 GAGGAGATC GCTTGGCAT TGGTGGCTT GTCAATTGGGA
 61 TGTTATTTTC ATCTCTTGA TTGGCAAGCA ATCGGGGAGG ATTTGGTGA TATGGCTGAA
 121 GGAACATGGAC TTACTTGGC TAAGGCTAA CCTTGGTGG CGAAGTGTAG CCCAGACCT
 181 AAAATGGCTA ATCTCTCTC TCAAGATTTGA
 SEQ ID 10 EGLAIVRVALSLLGCIIQCFEWQRIGEELVMTETGTLPLPKAQPILVAKCSPRPMANLLSQI

【図6】

FIG. 6

SEQ ID 11 D13a-5
 1 GAGGAGATC GCTTGGCAT TGGTGGCTT GTCAATTGGGA
 61 TGTTATTTTC ATCTCTTGA TTGGCAAGCA ATCGGGGAGG ATTTGGTGA TATGGCTGAA
 121 GGAACATGGAC TTACTTGGC TAAGGCTAA CCTTGGTGG CGAAGTGTAG CCCAGACCT
 181 ATAATGGCTA ATCTCTCTC TCAAGATTTGA
 SEQ ID 12 EGLAIVRVALSLLGCIIQCFEWQRIGEELVMTETGTLPLPKAQPILVAKCSPRPMANLLSQI

【図7】

FIG. 7

SEQ ID 13 D56-AC10
 1 AGGGAGATC GCGCTGGCAT TGGTGGCTT GTCAATTGGGA
 61 CGCTTGCTTC AGGGTTTGA TTGGAGCTG CCATCAACAA CGCCAACTTGA CATGACAGAA
 121 GCGCTGGGG TTACTTGGC TAAGGCTAA CCTTGGTGG CGAAGTGTAG CCCAGACCT
 181 CCTCTCTAAGC TTATTTTAAT TTGA
 SEQ ID 14 IGFATLWHTLTFGRLLQGDFDSEPSNTPIDMTEGVGVTLPKVNQVEVLIPLPSKLYL

【図8】

FIG. 8

SEQ ID 15 D35-33
 1 ATAGGCTT GCGGCTTGA TTGGAGCTG GACTTTGGT
 61 CGCTTGCTTC AGGGTTTGA TTGGAGCTG CCATCAACAA CGCCAACTTGA CATGACAGAA
 121 GCGCTGGGG TTACTTGGC TAAGGCTAA CCTTGGTGG CGAAGTGTAG CCCAGACCT
 181 CCTCTCTAAGC TTATTTTAAT TTGA
 SEQ ID 16 IGFATLWHTLTFGRLLQGDFDSEPSNTPIDMTEGVGVTLPKVNQVEVLIPLPSKLYL

【図13】

FIG. 13

SEQ ID 25 D177-B7
 1 ATTCGCTTC GGGCTGCGT CATGGAACTT
 61 CGCTTGCTTC ATCTCTTGA TTGGAGCTG TGGGAGTTGA CTTACGGAGT GAAAAAAGAA
 121 ACATGAGCA CAATGTCAG CGCTGGAAAT ACCATGCATA AGAAAAAAGCA ACTTTGCCTT
 181 ATCCCTAGGA ATTATCTATAA G
 SEQ ID 26 IALGVASMEALSNLLYAFDWELPYGVKKEIDITNVRPGIAMIHKNECLIPRNYL

【図14】

FIG. 14

SEQ ID 27 D56A-B6
 1 GGTATGCGAC TTGGCTTGTG ATCCATGGAA TTGCGCTTGTG CAAATCTCTT TTATGCTATT
 61 GATGGGGAGT TGCGCTTGTG AGTGAAAAGA GAAGACATGG AGACAAAGCT TAGGCTGG
 121 ATTCGCTTC AGCAAGAAA CGAAGATTTGC CTGTCCTCAA AAAATTATTT ATA
 SEQ ID 28 IALGVASMEALSNLLYAFDWELPYGVKKEIDITNVRPGIAMIHKNECLIPRNYL

【図15】

FIG. 15

SEQ ID 29 D144-AE2
 1 ATTGAGCTGGG TTGGCTTGTG ATCCATGGAA TTGCGCTTGTG CAAATCTCTT TTATGCTATT
 61 GATGGGGAGT TGCGCTTGTG AGTGAAAAGA GAAGACATGG AGACAAAGCT TAGGCTGG
 121 ATTCGCTTC AGCAAGAAA CGAAGATTTGC CTGTCCTCAA AAAATTATTT ATA
 181 CGGAAAGAT TATTTATAAA TTATATGAGG AGCTGAGCT CATGCTAG
 SEQ ID 30 IALGVASMEALSNLLYAFDWELPYGVKKEIDITNVRPGIAMIHKNECLIPRNYL

【図16】

FIG. 16

SEQ ID 31 D56-AG11
 1 ATTGAGCTGGG TTGGCTTGTG ATCCATGGAA TTGCGCTTGTG CAAATCTCTT TTATGCTATT
 61 CAATGAGCTT ATCTCTTGA TTGGAGCTG CCGACGGGAA TCAAAACCAAG CGACTTGGAC
 121 TTGAGCTAGG TTGGAGCTG AGTCGGGCT AGCAAGAGTC ACCCTTACTT GGTTGGCAGT
 181 CCTTATGAGC CTGCTCAAA CGA
 SEQ ID 32 ISFGLANALPLNQJLYHNMELPTGJIKPSDLDLTELUVGVTAAKSIDLVLWATPYQPPON

【図17】

FIG. 17

SEQ ID 33 D179-AA1
 1 ATTCATTTG GCGCTTACGTA ATGCTTATTTC GCGATTCGCT
 61 CAATTAATTC ATCACCTTCCA TTGGAACTTC CCTGCTGGAA TCGGACCCAG CGACCTTGGAC
 121 TTGACTGAGT TTGTTGAGT AACCTGGCT AGAAAGAGT ACCTTACTT GTTGGCGACT
 181 CCTTATCACC CTCTCTAAA GCGA
 SEQ ID 34
 MSFGLANAYLPLAQQLYHEDWKLPAGIEPSLDLITELVGVIAARKSDLYLVATPYPQQPK

【図18】

FIG. 18

SEQ ID 35 D56-AC7
 1 ATGCTTACGTA ATGTTGGACCA ACCTTTACG
 61 CAATTAATTC ATCACCTTCCA TTGGAACTTC CCTGCTGGAA AACATCTGAA GAAATTGGAC
 121 ATGCTTACGTA ATCACCTTCCA TTGGAACTTC CCTGCTGGAA AGAAAGAGT ATCTTACTT GATTCGCACT
 181 CCTTATCACC CTCTCTAAA GCGA
 SEQ ID 36
 MSFGLANVQPLAQQLYHEDWKLPNGQSHENFDIMTSEPSIATRKDDLYLIAATPYSY

【図19】

FIG. 19

SEQ ID 37 D144-AD1
 1 ATGCTTACGTA ATGTTGGTT AGCTTATGTT
 61 GCGCAACCTT TAGCTTCACTT ACCTTACAC TTGGATTGGA AACCTCCCAA TGGACAACT
 121 CACCAAAATT TTGGACATGAC TTGGCTCAAGT GGAATGGATG TTGACAGAA GGAATGCTT
 181 ATTTGATGAT CCACCTCTGC TCACTCTGA
 SEQ ID 38
 MSFGLANVQPLAQQLYHEDWKLPNGQTHQNFDMTSEPSIATRKDDLYLIAATPAPHS

【図20】

FIG. 20

SEQ ID 39 D144-AB5
 1 ATGCTTACGTA ATGTTGGTT
 61 GCGCAACCTT TAGCTTCACTT CCTTATACAC TTGGATTTGGA AGACTCTTCC TGGGATAAGT
 121 TTGACTTACGTA TTGACATGAC TTGGCTCAAGT GGAATGGATG TTGACAGAA GGAATGCTT
 181 TTGTTAAATTG CTACTCTTT TTGGCTCAAT TAA
 SEQ ID 40
 MSFGLANVQPLAQQLYHEDWKLPNGQSDSDFMDTSEPSIATRKDDLYLIAATPFGNL

【図25】

FIG. 25

SEQ ID 49 D56-AB9
 1 ATGCTTACGTA GCATTCAG TGGRACACCT AACATGGCA
 61 CATTTCATTC AGGGTTTCA TTACAAACT CCAATGAGG AGGCCTTGGAA TATGAAGGAA
 121 GTGTCAGGCA TAACATACG TAAGGTAAT CCTGTTGGAA TGTATAATGC GCGCTGGCTG
 181 GCACCTGAGC TTATTTAA
 SEQ ID 50
 MTYALQVEHLLTMAHLLQGPNYKTPNDEALUMKEGAGITIRKVNPFELIIAPRLAELY

【図26】

FIG. 26

SEQ ID 51 D56-AB6
 1 ATGCTTACGTA GCATTCAG TGGRACACCT AACATGGCA
 61 CATTTCATTC AGGGTTTCA TTACAAACT CCAATGAGG AGGCCTTGGAA TATGAAGGAA
 121 GTGTCAGGCA TAACATACG TAAGGTAAT CCTGTTGGAA TGTATAATGC GCGCTGGCTG
 181 GCACCTGAGC TTATTTAA
 SEQ ID 52
 MTYALQVEHLLTMAHLLQGPNYKTPNDEPLMKEGAGITIRKVNPFELIIAPRLAELY

【図27】

FIG. 27

SEQ ID 53 D35-BG1
 1 ATGCTTACGTA GCATTCAG TGGRACACCT AACATGGCA
 61 CATTTCATTC AGGGTTTCA TTACAAACT CCAATGAGG AGGCCTTGGAA TATGAAGGAA
 121 GTGTCAGGCA TAACATACG TAAGGTAAT CCTGTTGGAA TGTATAATGC GCGCTGGCTG
 181 GCACCTGAGC TTATTTAA
 SEQ ID 54
 MTYALQVEHLLTMAHLLQGPNYKTPNDEPLMKEGAGITIRKVNPFELIIAPRLAELY

【図28】

FIG. 28

SEQ ID 55 D35-42
 1 ATGCTTACGTA GCATTCAG TGGRACACCT AACATGGCA
 61 CATTTCATTC AGGGTTTCA TTACAAACT CCAATGAGG AGGCCTTGGAA TATGAAGGAA
 121 GTGTCAGGCA TAACATACG TAAGGTAAT CCTGTTGGAA TGTATAATGC GCGCTGGCTG
 181 GCACCTGAGC TTATTTAA
 SEQ ID 56
 MTYALQVEHLLTMAHLLQGPNYKTPNDEPLMKEGAGITIRKVNPFELIIAPRLAELY

【図29】

FIG. 29

SEQ ID 57 D35-BA3
 1 ATGCTTACGTA GCATTCAG TGGRACACCT AACATGGCA
 61 CATTTCATTC AGGGTTTCA TTACAAACT CCAATGAGG AGGCCTTGGAA TATGAAGGAA
 121 GTGTCAGGCA TAACATACG TAAGGTAAT CCTGTTGGAA TGTATAATGC GCGCTGGCTG
 181 GCACCTGAGC TTATTTAA
 SEQ ID 58
 MTYALQVEHLLTMAHLLQGPNYKTPNDEPLMKEGAGITIRKVNPFELIIAPRLAELY

【図21】

FIG. 21

SEQ ID 41 D181-AB5
 1 ATGCTTACGTA GCATTCAG TGGRACACCT AACATGGCTCA
 61 GTGTCAGTAT TTCTGAGT GGAATATCCC TCTAATGGTT ATGCAAGCTG ATTTTCACAC
 121 TACTGAACCA AGTAGAGTT TTGCAAGCAAG CAAAGATGAC CTCCTACTGTT TCCCAACAA
 181 TCACATGGG CAGAGTAG
 SEQ ID 42
 MSFGLVNTGHPPLAQQLYFFDWKLPKVNADEHTETTSRVFAASKDDLYLIPTNHMEQE

【図22】

FIG. 22

SEQ ID 43 D73-AC9
 1 ATGCTTACGTA GCATTCAG TGGRACACCT AACATGGCTCA
 61 GTGTCAGTAT TTCTGAGT GGAATATCCC TCTAATGGTT ATGCAAGCTG TTTTCACAC
 121 ACTGCAACCA AGTAGAGTT TTGCAAGCAAG CAAAGATGAC TCTACTGTT TCCCAACAA
 181 CACGGGGAGC AGAGTAG
 SEQ ID 44
 MSFGLVNTGHPPLAQQLYFFDWKLPKVNADEHTETTSRVFAASKDDLYLIPTNHREQE

【図23】

FIG. 23

SEQ ID 45 D56-AC12
 1 ATGCTTACGTA GCATTCAG TGGRACACCT AACATGGCTCA
 61 CATTTCATTC AGGGTTTCA TTACAAACT CCAATGAGG AGGCCTTGGAA TATGAAGGAA
 121 ATGACAGGG CAATGGGGT ATCTGCTAGA AGAGAAAAAG ATCTTACTT GATTCGCTACT
 181 CCTTATGGT CACCTCTGA TTA
 SEQ ID 46
 MSFGLALVLTPLAHLHNFDWKLPKPGINARDLDMTEANGISARREKDDLYLIPYVSPLD

【図24】

FIG. 24

SEQ ID 47 D56-AB9
 1 ATGCTTACGTA GCATTCAG TGGRACACCT AACATGGCTCA
 61 CATTTCATTC AGGGTTTCA TTACAAACT CCAATGAGG AGGCCTTGGAA TATGAAGGAA
 121 GTGTCAGGCA TAACATACG TAAGGTAAT CCTGTTGGAA TGTATAATGC GCGCTGGCTG
 181 GCACCTGAGC TTATTTAA
 SEQ ID 48
 MTYALQVEHLLTMAHLLQGPNYKTPNDEPLMKEGAGITIRKVNPFVTTTARLAPELY

【図30】

FIG. 30

SEQ ID 59 D34-57
 1 ATGCTTACGTA GCATTCAG TGGRACACCT AACATGGCTCA
 61 CATTTCATTC AGGGTTTCA TTACAAACT CCAATGAGG AGGCCTTGGAA TATGAAGGAA
 121 GTGTCAGGCA TAACATACG TAAGGTAAT CCTGTTGGAA TGTATAATGC GCGCTGGCTG
 181 GCACCTGAGC TTATTTAA
 SEQ ID 60
 MTYALQVEHLLTMAHLLQGPNYKTPNDEPLMKEGAGITIRKVNPFVTTTARLAPELY

【図31】

FIG. 31

SEQ ID 61 D34-52
 1 ATGCTTACGTA GCATTCAG TGGRACACCT AACATGGCTCA
 61 CATTTCATTC AGGGTTTCA TTACAAACT CCAATGAGG AGGCCTTGGAA TATGAAGGAA
 121 GTGTCAGGCA TAACATACG TAAGGTAAT CCTGTTGGAA TGTATAATGC GCGCTGGCTG
 181 GCACCTGAGC TTATTTAA
 SEQ ID 62
 MTYALQVEHLLTMAHLLQGPNYKTPNDEPLMKEGAGITIRKVNPFVTTTARLAPELY

【図32】

FIG. 32

SEQ ID 63 D34-25
 1 ATGCTTACGTA GCATTCAG TGGRACACCT AACATGGCTCA
 61 CATTTCATTC AGGGTTTCA TTACAAACT CCAATGAGG AGGCCTTGGAA TATGAAGGAA
 121 GTGTCAGGCA TAACATACG TAAGGTAAT CCTGTTGGAA TGTATAATGC GCGCTGGCTG
 181 GCACCTGAGC TTATTTAA
 SEQ ID 64
 MTYALQVEHLLTMAHLLQGPNYKTPNDEPLMKEGAGITIRKVNPFVTTTARLAPELY

【図33】

FIG. 33

SEQ ID 65 D56AD10
 1 ATGCTTACGTA GCATTCAG TGGRACACCT AACATGGCTCA
 61 AACATGTCG ATGGATTCGA TTGGAATTA CCTGAAAGTTA TGAAGCCAGA AGATATAAGT
 121 GTGGAAGAAC ATTATGGGCT CACTACACAT CCTGAGTTT CTTGTTCTG GATCTTGGAA
 181 TCTGAGCTT CTTCAGATCT CCTTACCCC ATCACCTAA
 SEQ ID 66
 YSLGLKVRVTLANMLGFGNWKLPEDGKFPEDISVEMYGLTHPKPFPVFILESLRSSLVSPIT

【図34】

FIG. 34

SEQ ID 67 D56-AAA1
 1 ATTCAGCTTT GCGGATTCGTA TAATTAGGGC AACTTGTAGCT
 61 ACTTGTTGC ATGGATTCAA CTGGAGATG CCTTAATGTTA TGAGTCCAGA AGACATTAGC
 121 ATGGAGAGA TTATAGGGCT AATACACAC CCCAAAGCTG CACTGACGT GATGATGGAG
 181 CCTCGACTTC CCACCACTAT TTACAAAG
 SEQ ID 68
 YSLGIRIRATLWNLHGNPNWNLJNGNMSPEIDSMELYGLITHPKVALDVMEPRIPNHLVY

【図35】

FIG. 35

SEQ ID 69 D177-BD5
 1 ATTAAATTTC CAAEACCTT TTGTTGAGCTT
 121 SCACCTGCTA ATCTTATGTT TCAATATAAT TTGTCACCTC CTGAGAGGAT GCTAGCTTAA
 181 GATGTTGATA TGAGAGAGC TTGGGGGTT ACCATGCAAG AGAACTATCTC CCTTGTCTTA
 241 GTAGCTCTTC ATTAATCTG TGA
 SEQ ID 70
 INFISIPLVELALANLLPHYNWSLPEGMLAKDVMDMEALGITMHKKSPCLVASHYTC

【図36】

FIG. 36

SEQ ID 71 D56A-A010
 1 ATGGAGCTTC CCTTGTATG ATTCGGAAATG GCTGTGGCCC ATCTTCTTCA TTSTTTTACT
 61 TGCGGATTCG CAGATGTTAT GAAACCAAGT GAGCTTAAAA TGAGTGTAT TTTGGGACTC
 121 ACTGCTCCAA AGGCTTAATG ACTGGTGGCT GTGGCTACTC CACGGTTGTT GTGTCCTCT
 181 TATTAATTA
 SEQ ID 72
 MQLGLYALENAVAHLLHCPTEWLDPGMKPSLEKMDIFGLTAPRANRLVAVFSPRLCLP

【図37】

FIG. 37

SEQ ID 73 58-BC5
 1 ATGCACTT GGGCTTTATC CATTAGAAAT GGCAGTGGCC
 61 CACTCTTC TTGCTCTTC TTGGGATTC CGAGATGTTA TGAAACCAAG TGAGCTTAA
 121 ATGGATGATA TTGTTGACT CACCTGCTCA AGAGCTAATC GACTCGTGGC TTGCTCTAGT
 181 CCACGTTGT TTGCCCCACT TTATTA
 SEQ ID 74
 MQLGLYALENAVAHLLHCPTEWLDPGMKPSLEKMDIFGLTAPRANRLVAVFSPRLCLP

【図43】

FIG. 43

SEQ ID 85 D176-BF2
 1 ATCATTGTT TTGGCTTAATG TTATTTSC ACTACCTCA
 121 TTGTTATAC ATTTTGATTC GAAACTCTCT ACTGGGATCA ATTCAGCTGA TTGGGACTG
 181 ACTGAGCTG CAGGAGAAC TTGGCTCTAGA AAGAGTGTAT TAACTTGAC TGCTACTCG
 241 TATCACCTT CTGAGAGZG A
 SEQ ID 86
 GISFGALANVYLPLAQQLYHFDWKLPTGINSSDLDMTTESSGVTCAKRSILYLATPYQLSQE

【図44】

FIG. 44

SEQ ID 87 D56-AB6
 1 ATGCTTGG AGTGGAGATA TACTGGCGCT CAGCTACCTA
 61 ACTTGTTATT ATAGATTCGA ATGATATGCT GGGCTCTGTG CCAAGCTGAG ATGA
 SEQ ID 88
 MNLSASIVRSVSYLTCIYRFQVYAGSVRVA

【図45】

FIG. 45

SEQ ID 89 D73A-AB6
 1 CT GAACTTTCGA ATGTTTGGG CAAATAAGGC ACTTGGATTC
 121 ATTCACAC ACTATGCTT TGAGCTCTCT CCACTTATG CAAAGCTCC TCATAACATT
 181 ATCACTCTC AACCTCAACA TTGTTGCTCT TTGATTGTTGC GCAAGCTGTA G
 SEQ ID 90
 INFAMLEAQNALILQHNYAFAELSPSYAHAPHTIITLQFQHGPILRKL

【図46】

FIG. 46

SEQ ID 91 D70A-BA11
 1 CT GAACTTGC AATGTTAGGG CAAATAAGGC ACTTGGATTC
 121 ATTCACAC ACTATGCTT TGAGCTCTCT CCACTTATG CAAAGCTCC TCATAACATT
 181 ATCACTCTC AACCTCAACA TTGTTGCTCT TTGATTGTTGC GCAAGCTGTA G
 SEQ ID 92
 INFAMLEAQNALILQHNYAFAELSPSYAHAPHTIITLQFQHGPILRKL

【図38】

FIG. 38

SEQ ID 75 D59-AD12
 1 ATGCAACTT GGGCTTTATG CATTGGRAAT GGCTGTGGCC
 61 CACTCTTC ATGTTGTTAC TTGGGAAATG CGAGATGTTA TGAAACCAAG TGAGCTTAA
 121 ATGGATGATA TTGTTGACT CACTGCTCA AGAGCTAATC GACTCGTGGC TGCGCTACT
 181 CCACGTTGT TTGTCCTCT TTATTA
 SEQ ID 76
 MQLGLYALENAVAHLLHCPTEWLDPGMKPSLEKMDIFGLTAPRANRLVAVFSPRLCLP

【図39】

FIG. 39

SEQ ID 77 D56-AC11
 1 ATGCAACTT GGGCTTTATG CATTGGRAAT GGCTGTGGCC
 61 ATGTTGTTAT ATAGATTCGA ATGATATGCT GGGCTGTGT TCAGAGTAGC ATGA
 SEQ ID 78
 MNLSASIVRSVSYLTCIYRFQVYAGSVRVA

【図40】

FIG. 40

SEQ ID 79 D35-39
 1 ATGCTTGG AGTGGAGATA TAGTGGCGCT CAGCTACCTA
 61 ATGTTGTTAT ATAGATTCGA ATGATATGCT GGGCTGTGT TCAGAGTAGC ATGA
 SEQ ID 80
 MNLSASIVRSVSYLTCIYRFQVYAGSVRVA

【図41】

FIG. 41

SEQ ID 81 D58-BH4
 1 ATGCTTGG AGTGGAGATA TAGTGGCGCT CAGCTACCTA
 61 ATGTTGTTAT ATAGATTCGA ATGATATGCT GGGCTGTGT TCAGAGTAGC ATGA
 SEQ ID 82
 MNLSASIVRSVSYLTCIYRFQVYAGSVRVA

【図42】

FIG. 42

SEQ ID 83 D177-BD7
 1 ATGTTGTTAT CAGACACCT TTGTTGCTTA ATCTTATGTT TCATTTATAAT
 61 TTGGTCACTC CTGAGGGGGT CCTACCTTACG GAGTTGATA TGGAAGAGC TTGGGGGAT
 121 ACCACGACA AGAAATCTCC CCTTTGCTTA GTAGCTTCTC ATTAAACCTT TTGCTGA
 SEQ ID 84
 INFISIPLVELALANLLPHYNWSLPEGMLPKDVMDMEALGITMHKKSPCLVASHYLL

【図47】

FIG. 47

SEQ ID 93 D70A-BB5
 1 AA TAACTGCA ATGTTGGAAA CTAAGATTC CTTAGGAAAT
 121 GCTACCTTC GCTTCTCTT CGAGCTTCT CTTCTCTC TAACTCTGC TACTTATGC
 181 GCTACCTTC CAACTTATG TGCTCTC CAACTTATAA GGTCTCTAT
 241 CTGAGTCTC CAACTTATG TGCTCTC CAACTTATAA GGTCTCTAT
 301 TTCA
 SEQ ID 94
 NNFAILEAQNALILQHNYAFAELSPSYAHAPHTIITLQFQHGPILRKL

【図48】

FIG. 48

SEQ ID 95 D70A-AB5
 1 AGCGAAGGGG TGGCAAAAGGC AACAAAGGG AAAATGACAT ATTTTCATT TGCTGGAGGA
 61 CGCGAAGGGG GCTATGGCA AAACCTGGG ATTTTGGAAAG CAAAATGGC TATAGCTATG
 121 ATTCACAC GCTTCTCTT CGAGCTTCT CAACTTATAA GGTCTCTAT
 181 GCTACCTTC AACCCAAATA TGCTCTCC CAACTTATAA GAGGCTGTA GTCCTGTAG
 241 ATATACCTAT CGAGGAGAT CAGTCT
 SEQ ID 96
 QNFAILEAQNALILQHNYAFAELSPSYAHAPHTIITLQFQHGPILRKL

【図49】

FIG. 49

SEQ ID 97 D70A-AB8
 1 AGCGAAGGGG TGGCAAAAGGC AACAAAGGG AAAATGACAT ATTTTCATT TGCTGGAGGA
 61 CGCGAAGGGG GCTATGGCA AAACCTGGG ATTTTGGAAAG CAAAATGGC TATAGCTATG
 121 ATTCACAC GCTTCTCTT CGAGCTTCT CAACTTATAA GGTCTCTAT
 181 GCTACCTTC AACCCAAATA TGCTCTCC CAACTTATAA GAGGCTGTA GTCCTGTAG
 241 ATATACCTAT CGAGGAGAT CAGTCT
 SEQ ID 98
 QNFAILEAQNALILQHNYAFAELSPSYAHAPHTIITLQFQHGPILRKL

【図50】

FIG. 50

SEQ ID 99 D70A-AB8
 1 AACATTTGG CATTGTTGAA GCAAGATGATG CTCTGCTAT GATCTGCAA
 121 CGCGAAGGGG GCTATGGCA AAACCTGGG ATTTTGGAAAG CAAAATGGC TATAGCTATG
 181 GCTACCTTC AACCCAAATA TGCTCTCC CAACTTATAA GAGGCTGTA GTCCTGTAG
 241 ATGACACAT ATGTCGCTTC ACTTATTTG CACACAGCTAT AA
 SEQ ID 100
 QNFAILEAQNALILQHNYAFAELSPSYAHAPHTIITLQFQHGPILRKL

【図51】

FIG. 51

SEQ ID 101 D70A-BH2
 1 AT AACATTGCA ATGACAGAG CGAAGATGGC TATGGCTATG
 121 ATTCGCAAC GCTTCTCTT TGAGCTACT CCATCTTACA CACATGCTCC ACAGTCTGTA
 181 ATTAATCTGC AACCCCTATA TGTTGCTCTT CTTATATGCA ACATAATGTA A
 SEQ ID 102
 INFAMAEKAMAMAMILQRFSELSPELSPSYTHAPQSVITMQPQYGAPELIMHLK
 INFAMAEKAMAMAMILQRFSELSPELSPSYTHAPQSVITMQPQYGAPELIMHLK

【図52】

FIG. 52

SEQ ID 103 D70A-AA4
 1 AT AACATTGCA ATGCGAGAG CGAAGATGGC TATGGCTATG
 121 ATTCGCAAC GCTTCTCTT TGAGCTACT CCATCTTACA CACATGCTCC ACAGTCTGTA
 SEQ ID 104
 INFAMAEKAMAMAMILQRFSELSPELSPSYTHAPQSVITMQPQYGAPELIMHLK
 INFAMAEKAMAMAMILQRFSELSPELSPSYTHAPQSVITMQPQYGAPELIMHLK

【図53】

FIG. 53

SEQ ID 105 D70A-BA1
 1 CA AACATTGCA ATGATGGAAG CAAATAATGGC AGTAGCTATG
 121 ATTAACAAA AATTTTCCTT TGAACTATCC CCTCTTATA CACATGCTCC ATTGCAATT
 181 GTGACTATTC ATTCCTAGTA TGTTGCTCTT CTGCTTATGCA GCAGACTTAA A
 SEQ ID 106
 QNFPAMAEKAMAMAMILQRFSELSPELSPSYTHAPFAIVTINHQYGAPELIMHLK
 QNFPAMAEKAMAMAMILQRFSELSPELSPSYTHAPFAIVTINHQYGAPELIMHLK

【図54】

FIG. 54

SEQ ID 107 D70A-BA9
 1 CA AACATTGCA ATGCGAGAG CAAATAATGGC AGTAGCTATG
 121 ATTAACAAA AATTTTCCTT TGAACTATCC CCTCTTATA CACATGCTCC ATTGCAATT
 181 GTGACTATTC ATTCCTAGTA TGTTGCTCTT CTGCTTATGCA GCAGACTTAA A
 SEQ ID 108
 QNFPAMAEKAMAMAMILQRFSELSPELSPSYTHAPFAIVTINHQYGAPELIMHLK
 QNFPAMAEKAMAMAMILQRFSELSPELSPSYTHAPFAIVTINHQYGAPELIMHLK

【図55】

FIG. 55

SEQ ID 109 D70A-BD4
 1 CA AACATTGCA ATGCGAGAG CAAATAATGGC AGTAGCTATG
 121 ATTAACAAA AATTTTCCTT TGAACTATCC CCTCTTATA CACATGCTCC ATTGCAATT
 181 CTACTCAAC CTCATATGAG TGCTTATGAA ATTGTGATCA AGCTGTAG
 SEQ ID 110
 QNFPAMAEKAMAMAMILQRFSELSPELSPSYTHAPFAIVTINHQYGAPELIMHLK
 QNFPAMAEKAMAMAMILQRFSELSPELSPSYTHAPFAIVTINHQYGAPELIMHLK

【図61】

FIG. 61

SEQ ID 121 D58-AA1
 1 TTGGCTTG GCACGGTGC ATGTTGAAATT GTATGTTGGCC
 61 CGAAGATTC AAGATTTGA ATGGTCGCGT TACCCGGAAA ATAGGAAAGT GGATTTTACT
 121 GAGATTTGG AATTTACTGT GTGTGATGAAA ATTCCTTAA GAGCTAAAGT CAAGCCAAAGA
 181 ATCCAAAGT TGAA
 SEQ ID 122
 LGLATVHVNLMILARMIQEFPEWSAYPENRKVDTEKLEFTVVMGNPLRAVKPRMVQV

【図62】

FIG. 62

SEQ ID 123 D73A-AA10
 1 TGGCTT TGGCTAGCTT CTAATTAGAG
 121 TACTTGGG CTAATTAGAG TTGGCTATTT CGATGGAGG CTGTGGAGGG AGATGATGTT
 181 GATCTTGGG AATAGCTGAA ATTACCGTT GTGATGAGA ATCCACTCG AGCTGTGATC
 241 TGCCCCAGAG TTAACTCTAT TGA
 SEQ ID 124
 YALAMILHLEYFVANLVNHRWEAVERGDDVLSEKLEFTVVMGNPLRAVKPRMVQV

【図63】

FIG. 63

SEQ ID 125 D58A-AC12
 1 GGTCACGAG TTGACTCTCT TAGAACACC ATTTTCATGG CCTCTTACTT GTCTGAATAT
 61 AAGCTGAAC CTGCTCACA CCAGAACCAA GTTGACTCA CGGAAATTAA TCCAGCAAGT
 121 TGGCTTCACT CGAAAGAAGG CGAAGCTGTTA GTCGATCGGA TTCCCTGAAA GAAGCGGCA
 181 TTTTAA
 SEQ ID 126
 GGQVGLRLTTTIAFSLLSEKLPKSHQKVVELDLPNAPSLHSLKGEILLVDAIPRKKA
 SEQ ID 127 D177-BF7

1 ATCAGATTC CTAGTTGTT GAATGACTTA
 121 GATTCGGCA AATTTAGTT CCATTGTTGAT TTCTGGCTAC CAAAGGAGT TAAGCATGAG
 181 GATTTGGAG TGAGGAGAG TGCTGGGATT ACTGTTAGAA GGAAGTTCC CCGTTTACG
 241 GTGCGCACTC CATGCTGAG A
 SEQ ID 128
 ITFAKFWELALARIMHFDPSLPRGVKHELDLVEEEAGITVRRKPLLAVATPC
 ITFAKFWELALARIMHFDPSLPRGVKHELDLVEEEAGITVRRKPLLAVATPC

【図64】

FIG. 64

SEQ ID 127 D177-BF7
 1 ATCAGATTC CTAGTTGTT GAATGACTTA
 121 GATTCGGCA AATTTAGTT CCATTGTTGAT TTCTGGCTAC CAAAGGAGT TAAGCATGAG
 181 GATTTGGAG TGAGGAGAG TGCTGGGATT ACTGTTAGAA GGAAGTTCC CCGTTTACG
 241 GTGCGCACTC CATGCTGAG A
 SEQ ID 128
 ITFAKFWELALARIMHFDPSLPRGVKHELDLVEEEAGITVRRKPLLAVATPC
 ITFAKFWELALARIMHFDPSLPRGVKHELDLVEEEAGITVRRKPLLAVATPC

【図56】

FIG. 56

SEQ ID 111 D181-AC5
 1 TATAGCTAG GCCTCRAAGC GATTCAAGCT AGCTTACGTA
 61 ATTCCTACAA TGGATTAAC TGTCATTCG CTGATTAATAT GACTCTGAG GACCTCAAC
 121 TGAGGAGAT TTTCGGGTC TCTACACCA AAAAAATTCG ACTCTGACT GTGATGAG
 181 ATGAGCTTC ACCAAACTT TACTCTGTT GA
 SEQ ID 112
 YSMGLKAIQASLJNLLHGFNWSLPDNMTPELDNMDEIFGLSTPKKFLATVIEPRLSPKLYSV

【図57】

FIG. 57

SEQ ID 103 D144-AH1
 1 AT AACATTGCA ATGCGAGAG CAAATAATGGC AGTAGCTATG
 61 TTGACTAATC TTCTACATG ATTTACTG CCTCTGGCTC ATTAATATGAC CCCTGAGGAC
 121 CTACACATG ATGAGATTT TGCGCTCTT ACCTCTAA AATTCGACT TCTCTACTG
 181 ATGACCAAC GACTTACAC TCACTTACG TGCTGTTGA
 SEQ ID 114
 YSLGLKVIQASLJNLLHGFNWSLPDNMTPELDNMDEIFGLSTPKKFLATVIEPRLSPKLYSV

【図58】

FIG. 58

SEQ ID 105 D144-AH1
 1 AT AACATTGCA ATGCGAGAG CAAATAATGGC AGTAGCTATG
 61 TTGACTAATC TTCTACATG ATTTACTG CCTCTGGCTC ATTAATATGAC CCCTGAGGAC
 121 CTACACATG ATGAGATTT TGCGCTCTT ACCTCTAA AATTCGACT TCTCTACTG
 181 CCACAGCTT CACCAAACTT TCACTCTG TGCTGTTGA
 SEQ ID 116
 HSLGLKVIQASLJNLLHGFNWSLPDNMTPELDNMDEIFGLSTPKKFLATVIEPRLSPKLYSV

【図59】

FIG. 59

SEQ ID 115 D34-65
 1 CATAGCTTG GGGCTCAAGG TGATTCAAGC TAGCTTAGCT
 61 ATACCTCTAC ATGGATTTA CTGGCTATG CCTGATAATA TGACTCTGA GGACCTCAAC
 121 ATGATGAGA ATTTGGGT CTCCTACACT AAAAATTCG CACTTGCAC TGTGATTGAG
 181 CCACAGCTT CACCAAACTT TCACTCTG TGCTGTTGA
 SEQ ID 116
 LCFCPLCLISYLLAINVNLHFLQISPSISY

【図60】

FIG. 60

SEQ ID 119 D73A-AH1
 1 ATGCTTCTT ATTTCTGTT TCTCTAGTTA TATACTGGCT
 121 TTGATGTTGA ATTCGATCA TAACTTCCTG CAAATTCCTC CTTCCATTIC TTTTAA
 SEQ ID 118
 LCFCPLCLISYLLAINVNLHFLQISPSISY

SGLAQCVVGLALATLIVQCFEWKRSVSEBVVDT/TEGKGLTMLPKPFLMARCEARDIFHVKLSEIS

【図65】

FIG. 65

SEQ ID 129 D73A-AH3
 1 TTGGCTTG GCACGGTGC ATGTTGAAATT GTATGTTGGCC
 121 TTGGCTTG GCACGGTGC ATGTTGAAATT GTATGTTGGCC
 181 ATTCGATCA CTCGGCCAA CCTGGCTAGG TGGGACAGTC TGACGATCA
 241 TTCCAGAAA TATCTTA
 SEQ ID 130
 QRYAINHMLMLFALTAFLIDFKRHKTDGCDIYIPTIAPKDDCKVFLSQRCTRPFPSFS

【図66】

FIG. 66

SEQ ID 131 D73A-AH2
 1 ATGCTTCTT ATTTCTGTT TCTCTAGTTA TATACTGGCT
 121 ATTCGATCA CTCGGCCAA CCTGGCTAGG TGGGACAGTC TGACGATCA
 181 ATTCGATCA CTCGGCCAA CCTGGCTAGG TGGGACAGTC TGACGATCA
 241 ATCAACCTTC TGAGACTAA
 SEQ ID 132
 MSFGLANLYLELAQOLLYFEDWKLPKTFDLDLTELSEGITIAKGDLYLNATPYQPSFS

【図67】

FIG. 67

SEQ ID 133 D185-BC1
 1 TTGGCTTG GCACGGTGC ATGTTGAAATT GTATGTTGGCC
 61 CGACGATTC AAGATTTGA ATGGCTCGGT TACCCGGAAA ATAGGAAAGT GGATTTACT
 121 GAGAAATTGG AATTTACTGT TTGGATGAGA AAGCTTAA GAGCTAAGGT CAAGCCAGA
 181 ATGCAAGTGG TGAA
 SEQ ID 134
 LGLATVHVNLMILARMIQEFPEWSAYPENRKVDTEKLEFTVVMGNPLRAVKPRMVQV

【図68】

FIG. 68

SEQ ID 135 D185-BG2
 1 TTGGCTTG GCACGGTGC ATGTTGAAATT GTATGTTGGCC
 61 CGACGATTC AAGATTTGA ATGGCTCGGT TACCCGGAAA ATAGGAAAGT GGATTTACT
 121 GAGAAATTGG AATTTACTGT TTGGATGAGA AAGCTTAA GAGCTAAGGT CAAGCCAGA
 181 ATGCAAGTGG TGAA
 SEQ ID 136
 LGLATVHVNLMILARMIQEFPEWSAYPENRKVDTEKLEFTVVMGNPLRAVKPRMVQV

【 図 6 9 】

FIG. 69

```

SEQ ID 137 D185-BE1
 1 ATCAGATT GCTTAGTTG TGAATGAGCT AGCATTCGGCA
 61 AGATTAATGT TCCATTGTA TTCTCCGCTA CCAAAAGGAG TTAAGCTGA GGATTTGGAC
121 GGGAGGAGG CCGCTGGAT TACTGTAGG AGGAAGTCC CCGTTTCTAGC CGTGGCCACT
181 CTACGTGCTG GA

SEQ ID 138
1TFAKFWNLARALIRHNFDFDSPLPKVHKEDLDVEEAAIGITVRKKFPLLAATVPCs

```

【 図 7 0 】

FIG. 70

```

SEQ ID 139          D15B-303
1 ATCAGCTT GCGATTTG TGTATGGCTT ACGTTGGCA
  1 ATCAGTAAGT TCCATTTG TTTCTGCCTA CCGAAAGGAG  TTAAGCATGC GGGATTGGAC
  61 AGTATTTGCTT CCGATTTGCTT TCCCGCTT CCGAAAGGAG  TTAAGCATGC GGGATTGGAC
  121 GTGGGGAGG CTTCGGGAAAT TGTCTTGGTA AAGGGAGTTC CCGCTTGGAC CCGTCCSRACT
  181 CACGTCTGGC GA

SEQ ID 140          D15B-304
1 TGTATGGCTT ACGTTGGCA
  1 TGTATGGCTT ACGTTGGCA
  61 AGTATTTGCTT CCGATTTGCTT TCCCGCTT CCGAAAGGAG  TTAAGCATGC GGGATTGGAC
  121 GTGGGGAGG CTTCGGGAAAT TGTCTTGGTA AAGGGAGTTC CCGCTTGGAC CCGTCCSRACT
  181 CACGTCTGGC GA

```

【図 7-1】

FIG. 73

```

SEQ ID 141 D17E-B22
  1 CA, AATTTCTGCT ATCTTGTAGG CAAAGCTAC TTTGGCTATG
  121 ATGCTTACAGC GCTTCCTCTT TGACTCTCT CCCTTATG CACATGCTCC TCGATGCCATA
  131 AAUACCTTACG AACCCTGATG TGGTGCTCCA CTTATGTCG ATAAATATAA 6
  141 AUACCTTACG AACCCTGATG TGGTGCTCCA CTTATGTCG ATAAATATAA 6
SEQ ID 142 QHMPALEKTTLMLQGRFSELPFSYVHAPQSITLQPQYGAPLLIMK1

```

〔 72 〕

FIG. 72

〔 四 75 〕

FIG. 7E

NAME	D89-AB1
ORGANISM	Nicotiana tabacum
SEQ. ID. NO.	140
1	CTTCCTCTCTT AGACTCTAAC TAAAGAAGGA CAGTCAGTCG TACATGATGAT TGGCGATCTT
61	GCTCTTCCTT TCCCGTCTCTT TCTCTTCGTT CAGAAAGGAA AGAACAGGA AACAAAATTT
121	ATGTTGTTGTT GAACTGAAAT TACCTTCGTT TGGCGATGTT CAGCCCTGGCT CTGGGAGG
181	ATGCTCTTCTT CACCGCGGCC TAAAGAATT AGCCAAAGGC TATGGCTCTC TTATGCGTT
241	TCAGCTCTTG TAACTGCTTA CAGTCATCAT ATTCACCATC CAATGGCCCA AAAGGAGTACT
301	AAAAGCTACG GACCTGGCTT TTGGCGATCTT CACCAAGCTT GTGGCGGCC ATCAATGCTA
361	CTACCGACAG CAGGCAGTACG TATCTTCGTT TGGCGATCTT CAGTCAGCTT TAACTGAGGAA
421	AAATTGCGAA TTTGGACTCTT TGGCGATCTT CAGTCAGCTT TGGCGATCTT CAGTCAGCTT
481	AGATGCTGTT TGGCGATCTT CAGTCAGCTT TGGCGATCTT CAGTCAGCTT TGGCGATCTT
541	ATGTTGTTGTT ATTTTGGCTT TGGCGATCTT CAGTCAGCTT TGGAGGAGT TAACTGATCA
601	ATGCTGGACG CAGACAGAA TGTATCCTAT TGGCGATCTT CAGTCAGCTT TGGCGATCTT
661	ATTGATGTT TGGCGATCTT TGGCGATCTT CAGTCAGCTT TGGCGATCTT CAGTCAGCTT
721	ATCTAACTCTT GGGAAAGACG ATGCTGATAG TGTATGAAAT TGGCGATCTT CAGTCAGCTT
781	GCACAAACAA AACAGCAGCG TGGCGATCTT CAGTCAGCTT TGGCGATCTT CAGTCAGCTT
841	GATTCGTTCTT TGGCGATCTT CAGTCAGCTT TGGCGATCTT CAGTCAGCTT TGGCGATCTT
901	TTTATGCTTCA TGCATTTTAA TGGCGATCTT CAGTCAGCTT TGGCGATCTT CAGTCAGCTT
961	TTTATGTTCTT GCTATGCTG ATTAATGTTGA GAAACCTGG TGGCGATCTT CAGTCAGCTT
1021	TGGAGTCTTACG CAACTTGTAA AGGAAATGAA AGGGTTCTCA CAGATGATGTC TGGTGAGCT
1081	AAATAATCTTCA AAGGTGTTAA TCAAGAACAG TCTTAAGAGT CAGTCAGCTT TGGCGATCTT
1141	AGTCCTGCTTCA AGATGTTGAA TCAAGAACAG TCTTAAGAGT CAGTCAGCTT TGGCGATCTT
1201	ATGCTGTTCTT CAGTCAGCTT TGGCGATCTT CAGTCAGCTT TGGCGATCTT CAGTCAGCTT
1261	ATGCTCTTCTT CAGTCAGCTT TGGCGATCTT CAGTCAGCTT TGGCGATCTT CAGTCAGCTT
1321	GTTCATACCA TTTGGCTGAA GAAGAGATG TTGCGATCTT TTCTTATGATC TTGCGATCTT
1381	TTTGTGACCA CTTTCAAGCTC AGTACTTCA TGGCGATCTT CAGTCAGCTT TGGCGATCTT
1441	AACTGATGAG AATTTGCGACA TGACTGATCTT CAGTCAGCTT TGGCGATCTT CAGTCAGCTT
1501	CTTTGGCTT TTTGCTTCAGC TATCTGATC TTATTAAGCA TGGAGACCTCC CTAATGGAC

【 図 7 3 】

FIG. 73

```

SEQ ID 145 D176-BC3
  1 C A B A T T C G A T G T A G A G C A A G A C T A C T T T G G G C T A T
  121 G A T C T C A C A G C G G T T C T C T T G A T G C T T C A T C T T G C T C
  181 A T T A T C G T C A A G C C A G A T T G C T C C T C T A G G A A M A A T T A T C T
  241 T G T G A T G A T G C T G C T G T T A T G T G A T G C T C A A G T G G C T T C T A A T
  300 G C A A G A T T C A T G T C T G T C A T C T G A T G C T C T G A T A T G T C T C A A T

SEQ ID 146 F176-BC3
  1 F O M M A E L K T A T M I L M Q R F S F E L S P S Y A H A Q S I T C H P S M V L H I L P I C Y S I L I V S V S F V T Y K H E S M L R L V E L Q N G N A
  151 F A M H V C R L

```

(义 7 4)

FIG. 74

FIG. 74
 SEQ ID 147 D176-BB3
 1 GCGTGT
 6 1ATGGGGTTC GAGCGAGTC TTGGCACTTA GGTCACCTTA TTCAATGCTT TGACTGSCCA
 12 1ATTAAGGAA GCGGAATTC GGAGAACG TTAACTTTA GTAGTACGAT CGGAGCAG
 181 CCTTGAAGG TTTCTTCAC CTAACCGGA GATCTTGCG AGCTTCTTAC CCAACTCTAA
 SEQ ID 148
 ATGGTATGAGLALGAGLLOCDFWQIEAEASLESIEESYNRMNTGNNKPLKVVCTPREDLQLSQL

(义 7 6)

FIG. 76

【図77】

FIG. 77

NAME D90B-BB3
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 153

1 CAACTGGAGT TTGAAAGATC CAACTTACCA AAATGCACTT CTTCAGCTTG GTTTCGAATT
61 TCTATTTCTT ATCTTCTTC TTGTTGTTAA GGAATGGAA GAACTGAAAT GACCAAGAGC
121 AAAATTGCG ACCAGGTCGA TGGAAACCTC CAACTACTGG AGAATGCTT CTAATGCTTC
181 GTGGACTTAC ACACAGGTTG CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
241 TCTGAACTG CAACTGAAAT GAACTGAAAT TTGCTGGCTC TGGTATGCTA
301 TCTGAACTG CAACTGAAAT GAACTGAAAT TTGCTGGCTC TGGTATGCTA
361 GTTACAACTAG GCTTGAGCTT GGGTTTGGC CTGTAGGCGC TTAAATGAGA CAAATGCGTA
421 AAATATGCTG CTTGGAAAGT CTCAGTGGCA AGAAATGCTG GCATATAGAC TCTATAGGC
481 GCGGAGAGT TCTTGGCTC CTAAATTTA TCGGGCTTC TTGCTGGTAG CGATGGCTC
541 TACCGGAAAGT GATCCTTTC TTACAGAGT CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
601 TATCGGAAAGT GATCCTTTC TTACAGAGT CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
661 AGGCAAGAGT TCTTGGCTC CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
721 AGGCAAGAGT TCTTGGCTC CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
781 AGGCAAGAGT TCTTGGCTC CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
841 TTGATGTTGCT CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
901 CAATGAACTG CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
961 TTGATGTTGCT CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
121 TGGTGGCTC CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
181 TGGTGGCTC CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
241 TGGTGGCTC CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
301 TGGTGGCTC CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
361 TGGTGGCTC CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
421 TGGTGGCTC CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
481 TGGTGGCTC CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
541 TGGTGGCTC CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
601 TGGTGGCTC CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
661 TGGTGGCTC CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
721 TGGTGGCTC CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
781 TGGTGGCTC CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
841 TGGTGGCTC CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
901 CAATGAACTG CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
961 TTGATGTTGCT CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
1021 TTGATGTTGCT CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
1081 TTGATGTTGCT CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
1141 TTGATGTTGCT CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
1201 TTGATGTTGCT CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
1261 TTGATGTTGCT CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
1321 TTGATGTTGCT CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
1381 TTGATGTTGCT CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
1441 TTGATGTTGCT CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
1501 TTGATGTTGCT CAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC

SEQ. ID. NO. 154

1 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
61 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
121 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
181 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
241 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
301 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
361 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
421 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
481 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
541 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
601 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
661 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
721 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
781 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
841 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
901 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
961 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1021 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1081 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1141 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1201 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1261 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1321 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1381 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1441 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1501 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1561 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG

【図78】

FIG. 78

NAME D95-AG1
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 155

1 AAAGATGTC ACATCTTCTG CCACTTCA TGGCAACTC CGAATTCGAG
61 AAATCCCGAG AGCATAGCTT TCCCGCTT TGGCAACTC CGAATTCGAG
121 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
181 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
241 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
301 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
361 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
421 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
481 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
541 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
601 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
661 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
721 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
781 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
841 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
901 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
961 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
1021 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
1081 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
1141 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
1201 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
1261 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
1321 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
1381 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
1441 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
1501 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG
1561 TCTGACACCG CGGCACAGAT TGGCAACTC CGAATTCGAG

SEQ. ID. NO. 156

1 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
61 MCGAATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
121 DSESETHATL KGFPLSLISQ LHNQFPLFPR TSLSLGFANL ENRISLGGKA NFTLPLFPL
181 DSESETHATL KGFPLSLISQ LHNQFPLFPR TSLSLGFANL ENRISLGGKA NFTLPLFPL
241 PFFLVRNRYQ KLYSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ
301 KSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ
361 KSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ
421 KSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ LKSDHNFQ
481 KAT

【図79】

FIG. 79

NAME D96-AB6
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 157

1 CAACTGGAGT CAACTGAAAT TCTTGTCTTC CAACTTAACTT CTTTGTCTTC CAACTTAACTT
61 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
121 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
181 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
241 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
301 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
361 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
421 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
481 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
541 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
601 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
661 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
721 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
781 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
841 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
901 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
961 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1021 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1081 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1141 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1201 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1261 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1321 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1381 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1441 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1501 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1561 TTGATGTTGCTT TTGATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG

SEQ. ID. NO. 158

1 MELGSPBPNL ISHLFSPSPL LFLVKGKNAK ISKLPLPSPPL LFLVKGKNAK ISKLPLPSPPL
61 DLBKYGPML YLQLEGPVY VLSSPRVAKA VLNTHDLPF TPDPMSSDI VYFKSPRDSL
121 AEPGDPWNPK RKLILQELLS NMKLYKSLI RKLILQELLS SIRLETSVGS NINKELWLF
181 SCMTCRLAFG KICNDRDELI MLRLEILTS GGFDPVGLDFP SWKLILHNSN MKARLNTVH
241 KYDLVMEHII NEHQBNHAAK IKGNNFEGGS NMDIDALLPK ENNLHPLFIE NDNNKAVLID
301 LFIAGTETSY TAIWALSEL MKHPVSMWKA QAEVRKVFKE NENFDNDLQ KFLYPLRSVH
361 ETLMRHPFVW LLSPRECRDQ TEIDGTYVPI KARVMVNAWA IGRDPESWED PESFKPERFE
421 NTSDVDTGHN YQFIFPSGR RNPMPNSFGL VNTGHLAQL LYCEWDNLKD KVNAKNDRTT
481 ETSRVFRASK DDYLIFLTFN REQE

【図80】

FIG. 80

NAME D96-AC2
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 159

1 CTCCTCTTCA AATGAGCT TCAATCTCTT CTCCTCAATT TAATTCCTCTT GTCCTCTTCTC
61 TTGCTCTTCTT TTGTTATCTT ATGGAGAAAAT TGGATGCTTCA AAATCCCAAAT GTTACCCCA
121 GTTCCGTGGA GGGTCTCCCTT TATTCGAGCCTC CTTCATCAGCT TGGATGCTTCA ACTTCAGCTC
181 CATACCTTCA GAGAATCTAGC SCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
241 ATTCCTGAG TTTGAACTTCA TAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
301 ATTCCTGAG TTTGAACTTCA TAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
361 ATTCCTGAG TTTGAACTTCA TAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
421 ATTCCTGAG TTTGAACTTCA TAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
481 ATTCCTGAG TTTGAACTTCA TAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
541 ATTCCTGAG TTTGAACTTCA TAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
601 ATTCCTGAG TTTGAACTTCA TAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
661 ATTCCTGAG TTTGAACTTCA TAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
721 ATTCCTGAG TTTGAACTTCA TAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
781 ATTCCTGAG TTTGAACTTCA TAACTGAAAT GAACTGAAAT GACCAAGAGC
841 CTGAGGCTTCA AGGAGATAA TGAATGCTT CTTCTCTTCTG
901 CTGAGGCTTCA AGGAGATAA TGAATGCTT CTTCTCTTCTG
961 CTACATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1021 CTACATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1081 CTACATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1141 CTACATGTTGTTT GTCATGTTGAA GAAATGGAAAT GCGAAATTCG CAAATTTTACCC TCCAGCTTCTG
1201 ATGGCTTGGC CCAATGAGCTT GAGATGCTTCA AGATGGCTTCA AGATGGCTTCA TGGTGTGAC
1261 GAGCCGATTTG CAACTACTTCA TCTTGTGTTCTT GAGATGCTTCA AGATGGCTTCA TGGTGTGAC
1321 GAGCCGATTTG CAACTACTTCA TCTTGTGTTCTT GAGATGCTTCA AGATGGCTTCA TGGTGTGAC
1381 GAGCCGATTTG CAACTACTTCA TCTTGTGTTCTT GAGATGCTTCA AGATGGCTTCA TGGTGTGAC
1441 CTTCGCACTR CTGAAACAG AGATAGCTT GAGATGCTTCA AGATGGCTTCA AGATGGCTTCA TGGTGTGAC
1501 CCCACAAATC ACAGGGAGCA AGATAGCTT GAGATGCTTCA AGATGGCTTCA AGATGGCTTCA TGGTGTGAC
1561 AGGAAGGGCTT ATTAGATGGA AGATAGCTT GAGATGCTTCA AGATGGCTTCA AGATGGCTTCA TGGTGTGAC

SEQ. ID. NO. 160

1 MELGSPBPNL ISHLFSPSPL LFLVKGKNAK IPFLPGLPWR LFLVKGSLAH KGLKPLPHNLR
61 DLBKYGPML YLQLEGPVY VLSSPRVAKA VLNTHDLPF TPDPMSSDI VYFKSPRDSL
121 AEPGDPWNPK RKLILQELLS NMKLYKSLI RKLILQELLS SIRLETSVGS NINKELWLF
181 SCMTCRLAFG KICNDRDELI MLRLEILTS GGFDPVGLDFP SWKLILHNSN MKARLNTVH
241 KYDLVMEHII NEHQBNHAAK IKGNNFEGGS NMDIDALLPK ENNLHPLFIE NDNNKAVLID
301 LFIAGTETSY TAIWALSEL MKHPVSMWKA QAEVRKVFKE NENFDNDLQ KFLYPLRSVH
361 ETLMRHPFVW LLSPRECRDQ TEIDGTYVPI KARVMVNAWA IGRDPESWED PESFKPERFE
421 NTSDVDTGHN YQFIFPSGR RNPMPNSFGL VNTGHLAQL LYCEWDNLKD KVNAKNDRTT
481 ETSRVFRASK DDYLIFLTFN REQE

【 四 8 1 】

【 図 8 2 】

FIG. 81

ORGANISM	D98-A11	NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID.	NO. 1	
1	CCTTTCTTCTT	TGTACCGAGA
66	CTTCATCTTC	TCTTCATTCAT
121	GGAGCTTACCC	ATTATTCATG
181	CAGAAATTCCTT	TTTCTTCTTCTT
241	AGTAACTTCTT	CTTCTTCTTCTC
301	CCATTTCTTCTT	CCAGCAATTC
361	CTTTTCCCGG	TATGGTGTGAA
421	TAGTCGTC	ATTGGGAAAG
481	ATCATCCAT	TATGGTCGAT
541	TAYGAGCGG	GGCAATGAGA
601	GATACATGAA	GTCGATGAGC
661	CCATTTCTTCTT	AAATTCCTTCTT
721	ACGAACTTCA	ACGCGATCTG
781	TGGAACTGT	TGTATGGG
841	CATGGAGA	AGGGCAATTA
901	TCGACATTT	ATTCGGGAA
961	ATTAATGG	AATCCAAAG
1021	AGGAATGAA	ATTCGGGAA
1081	GGATGAACT	AGGCTGATCT
1141	GGCGGAAAC	GGAGATGAGG
1201	ATGGGCAATT	GGAAAGAGAC
1261	ATTCGGAA	AGTTCTTATG
1321	TGGAGAGCA	ATTTCTGGG
1381	TCATTTCTT	CAAACTTTCG
1441	GGATGAGCA	GGAAATGAG
1501	TCATGAGA	TCATCTCTG
1561	GGCTT	AAATTCCTG

SEQ. ID. NO. 162
1 MEFQHIVSP LEIIEIFPFLI QWNRKNSKQFL EGPWRLRILIG SVNHLLTSQV
61 FGPQIQLPQ EPEVPPVWQH BMQHQLDQH DIAFRPQE MIKGKLCQD KQIAF5HLSQW
121 YKQHQLPQH LELLSKQWQH FQSHIPIQDQD SLLSLSKQWQH GHQHJLVEW LWLWMMATQD
181 RSPFVQWDQH KFTLILIGR AEELSLQGQD ADLPSFKSLF HGISGMSRKL MKEANHIDQH
241 QMHNQHWHRE NHANGNSKQF ECTSFVDFD PWLFRMVEGQD HNQHJLVEW AVILWMPVAG
301 SHTSSTVW ALTEMWKNPKW VNKAGQADQH EAFKQHGKACD ETDLQKQHIDQH AVILWMPVAG
361 LMPHTTQWQH RECREETIYQD FETIPLKSVWQH LWNVWQDQH KPNWNPQECIY PERFENPSIS
421 EPTTQHOFQD PGFPAGRICK QNGQFLALVT LPLAHJLHNQH DWKLHREGINA RLDLWMPTEANG
481 ISAREKBDQH LIAITVQWSPL F

FIG. 82

NAME	D98-A61
ORGANISM	NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO.	163
1	TCTCTGTA CGGAGATGGA GTFPACACG TTGGTTGCTG TCTTCGTTAT CACTCTCTTC
2	61 AATTTCTTC ATTTCTTCTT ATTCGGGAAAGA TCGAAGAAAGC GTCGACCTGG TCGTCGAG
3	121 CCTACATTA TTGGAAAGTG CATTGACTTCG AATCAGTGGG TACACCCATGG AGTCTTCAGA
4	181 AATTTCTTC AATTTCTTCTT CGCGGTACG TACTTGCAGC GGGGGAGAT GGTGGGAGAT
5	241 TTGTGATCTT CCCACACATG GGGGAAACAA ATTTTTTAA CTCATGAGC CCTTTCTTGA
6	301 TCTGAGCGC AATTCATGAT GGGAAAATAT ATTTCATGG AGTGTGAGGA TTCTTCCTTA
7	361 TCCCGGGT GGTGATGATG GAGGAGGATG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGG
8	421 AATTTCTTC ATTTCTTCTT CGGTGAGCTG CTCGTCGAGG CTCGTCGAGG AGTCTTCATCA
9	481 TTGTGATCTT CGATGGGGAA TTGGCCCGCTT AACTCTGTTT AAGAACTTTT ATTGTGTTT
10	541 ATGGCCGGG CTTGAGTCG AATGGTTTGG AAGAGGTTG AAGAGCTTCA AGAGCTTGTAA
11	601 ACATTTCTTC AGACGGCAGA ATTCATGATG TTGTGGATG AGTCGTCGTT TTGTGTTCTT
12	661 TTGGAGAGT TTTCTATGAG TTTATGGTTG AATGGCTAT AATCTTGTGG AGCTGGTGTG
13	721 AAGATAGACT CAGTCGTTT CAACTTACATG AATGGTGGGGG ATTTGGGGGGG ATTTGGGGGG
14	781 AATTTCTTC ATTTGNGTTC TGGAGGAGG GGGGGGGGGG ATTTGGGGGGG ATTTGGGGGG
15	841 AGATGGGGG CAGGGCTGCA CAGCTACATG ATTCAGCAGA TCAAGGACT TTTCTCTGAC
16	901 ATGGGGGGG CAGGGCTGCA CAGCTACATG ATTCAGCAGA TCAAGGACT TTTCTCTGAC
17	961 ATGGAGATC CAACTTACATG CAGCTACATG ATTCAGCAGA TCAAGGACT TTTCTCTGAC
18	1021 AAGAGGAGAT TTGTGAGGGG TACTCTGTTT GAAAGACTTCA ATTACCTTAA TTATGAGTAA
19	1081 AAAGAGGAGAT TCGGTTGATT CCTTCCTTCACT CCTCTTCACT TCCCGGGAGA AGGAGGGGG
20	1141 GAACAGAGAG TAAAGGAGAT CAACTTACATG TTGTAGAGGGG AGTGGGGGGG GGGGGGGGG
21	1201 GCAATTTCTTC GAGGAGGAGT CAACTTACATG TTGTAGAGGGG AGTGGGGGGG GGGGGGGGG
22	1261 GAGATGGGGG CAGGGCTGCA CAGCTACATG ATTCAGCAGA TCAAGGACT TTTCTCTGAC
23	1321 AGACGGGGG CTTGGGGGGG GCAATTTGGT TTGGCTCTTG TTACTCTGTT ATTGTGCTGTT
24	1381 TTGGCTTCAAA ATTTTGTGGT GAAAGGTTCC GAGGAGTTA ATTCAGGGGG TTTGCTGATC
25	1441 ACAGGCGCA CTTGGGGGGG GTCAGTGGAG GAAAAGATC TTACTCTGTT TTGTGCTGTC
26	1501 TATGATGCTT CTCTTGTGTT ATTCAGGGGG TTGGCTCTTG TTACTCTGTT TTGTGCTGTC

```

SEQ. ID. 164
  1 MEFONHSSL LFISFIFLIL QKWRKSXKL PGPWBLFIE SVHHLTSGPV HRLNLENLSOK
  2 FGPMLTQLQG EWPVTVVVSSB HMAQKOLLT DLAAPRSPEI KMLKILYCJD KUCLAFSPYD
  121 YWNRHBRHSSK LKLSFIRQDLE SLLSISLSSM GNLFNLEINW LKVKPMMAACT
  181 RSAFKVCKD QKELLTILQI AELSLGGKFDL AFDLSSKFL HOISGMRSKD MERNKNDIA
  241 LDNINWVTRH NRANGNSKQ EGTSDFVDFV RFLVMSGEK AVILDKOMFV AVILDKOMFV
  301 SDTHTTNTVW ALIETMNGPKW MAQVAKAQVB EAFRKGCACD EDPLDIEKHY LNVIKHEIT
  361 LHPPTPLVY RECRETEEY GTPIKLEKQV LWNVAWQH PENWPKFVPPFPEFV
  421 EPTFHGPQD FPGNQRICP GMQGHLALVT LFLHARLHANT DWKLPEGINA RLDLMDTEANG
  481 ISARERDKE LIATYPFVQD

```

【 义 8 3 】

【 図 8 4 】

FIG. 83

NAME	D100-BE2	ORGANISM	NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID.	NO. 165		
1	CAAACACAA ATTCCATGG TTAACATGTG	CACTCCAAAT	ATATACGCTC
61	AGCTTCTTAC ATTATCACA AACATCTTC	ACGCAACAT	AGAAATAC
121	ATTCTTACAT TTCCCGCTT TTTGCACTT	TTATCTTCTT	TTTCTTCTT
181	CGACATTTAC ATTCGCTTCTT TTTGCACTT	TCGATGTTT	CGGATGTTT
241	TTTCTTACAT CGGCTTCTC CGACTCCGC	TTGATGTTG	TTGATGTTG
301	TTTCCCGAT CCGCTCTCTT TGATGTTGGS	AAACATCTT	GGATTTATTT
361	GGCTTGGGAT TCGTGGGAGG ATATCTGGG	AAATCTCGG	AGGACTTAC
421	GGTTTTGGAT CTCAGCTTCG CTCCTGGCA	TGGATGTTG	ATTTGAGAC
481	GGTAAAGGAG CTCAGCTTCG CTCCTGGCA	TTGAAATCTT	GTGGAGAGAG
541	TTTGGATGAG ATCTGGCTAG TGATGTTGAG	GACATGTTG	GGAAAGAGAG
601	GAATGTTGAG GACATGTTG TGATGTTGAG	TTGATGTTG	ATATCGATCT
661	GGATGTTGAG GACATGTTG TGATGTTGAG	TTGATGTTG	TTGATGTTG
721	ATTCAGAAAT ATCTTTAATG TTTCAGAAGA	GACAGAGAT	GAGTTTGTGCG
781	TAAGATTCG AAAAGAAAAGA TGGAGAAGAA	AGGTGATCTT	AGTGTGATCT
841	GAACAGAAAGA TTGTAAATG ATTGTGTTG	AACATCTCA	GGAAATAGA
901	CAAGATGAA ATCTTACAGA CCTTTCTTGT	TTGTTCTAT	TCAGCTGGTA
961	AGTTGGCAAG ATGGAGATGG CCTTCTTGT	AAAGTTGTA	GGAGGAACT
1021	AGACAGATCTT GAAATGATCTT AACATCTTC	TTGATGTTG	TTGATGTTG
1081	GGATGTTGAG GACATGTTG TGATGTTGAG	TTGATGTTG	TTGATGTTG
1141	ACGCTTAACTA TTCCCGCTT ACCTGCTTCTT	TCGATGTTG	TCGATGTTG
1201	CGGGAGAGAC TGGTTTACTG TGATGTTGTT	GGAAACCTCC	TTGGAGGAGCT
1261	TTGACCCAAAGA ACGTTTAAAC GAAAGAGAT	TCGATGTTA	ATGATGTTAA
1321	CAAAATGAG CCTTTGTGTG TTGGAGAGAT	GAGTTGTTCT	GGAGAAGAGT
1381	ATTGGTTGGC TTGGTCACTG GAGTTTATTA	TCAGTTGTT	GGGGTTGGAC
1441	AGAAATGTTG GATGATGTTG AGGAACTG	ACTTACCTT	CTTAAAGGTC
1501	GGCCGAGCTG AGGCCCCGAC	TTAAATCTTC	TTACGAGTTT

FIG. 84

NAME	D100A-RC3	ORGANISM	NEOTIATANA TABACUM
SEQ. NO. 1	CAACAAACAA ATTCCCAATGG TTAAACATGG CACTCCATT ATATACGCTC CTCTCCCTT		
61	AGCTTTCATAC ATTATCCAAAC AACATTTCTG AGCCAAACAT AGGAAATACG		
121	ATTCTTCTTAC TTGCCCCATTA TTGCGCACTT TTAATCTC AACATGCTTAC		
121	CTTACGGCCAA ATTCTCCGGC GTTGTGCTTC TCGACATTCG TGTGCGGATG		
241	AGTACTTCTG GTTGTGCTTC TCGACATTCG TCGACATTCG TTACAAAAAA		
301	TTACGATGTTT TCGACATTCG TCGACATTCG TCGACATTCG AACATGTTT		
361	GGCTTGAGG TCGCTGAGG ATCACTGGAA AACATTCTCTG AGGATGATTC		
421	GGTTGGGGAG CATTGCTCCG AACATTGCTCA TGGATGATTC ATGGTACAA		
481	GGTAAAGG CTCGATATTCTC CGGCCAGACG TGGAAATCTG TGGAGATTC		
541	TTTGTGCTC AGCTGGATTC CGGCCAGACG TGGAAATCTG TGGAGATTC		
601	GAATGCTTCTG TGGGGGGGG CGGCCAGACG ATCTTCAAGGT TTGGCGGGG TTGGATGAT		
661	ATGGGAGGAGG ACTTGTGATTA TGGTCAAGG GACAGGAGGAGG ATGGTATTA		
721	ATGGGAGGAGG ACTTGTGATTA TGGTCAAGG GACAGGAGGAGG ATGGTATTA		
781	TAAGATTCG AAAAGGAAAGG TGGAGATTCG AGGACTTCTG ATGCTGAGG		
841	GAACAGACG AGCTTGTGAGG TGGAGATTCG AGGACTTCTG ATGCTGAGG		
901	GAAGAGGAGG ATGGGAGGAGG TGGAGATTCG AGGACTTCTG ATGCTGAGG		
961	GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG		
1021	GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG		
1081	GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG		
1141	GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG		
1201	GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG		
1261	GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG		
1321	GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG		
1381	GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG		
1441	GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG		
1501	GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG		
1561	GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG		
1621	GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGGG		
SEQ. NO. 168			
1	1 MVNNNTTII APLLFLYII TKFLRLKRN NNPAAFFP FIGHGLFLPK PHQGLAKIS		
61	61 ERYVSLVLL FGSRKVLLV SFLPSEAEFCI PDDTAAATC LDEAATGQD NTTSFLAWGSS		
121	121 DQVQVLLVLL DQVQVLLVLL DQVQVLLVLL DQVQVLLVLL DQVQVLLVLL DQVQVLLVLL		
181	181 DQVQVLLVLL DQVQVLLVLL DQVQVLLVLL DQVQVLLVLL DQVQVLLVLL DQVQVLLVLL		
241	241 DQVQVLLVLL DQVQVLLVLL DQVQVLLVLL DQVQVLLVLL DQVQVLLVLL DQVQVLLVLL		
301	301 RSLMILVLLS DQVQVLLVLL DQVQVLLVLL DQVQVLLVLL DQVQVLLVLL DQVQVLLVLL		
361	361 RCLINCEFTT MYFAGGEILPV HESSEVTTTGGY FVPGGTCF LUNWJWAIH DPEPDRPEK		

【図85】

FIG. 85

NAME D104A-AB5 (69,1755)
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 169

1 GAGCTCTGCTT ACTATCTCTT AAATCTCCAC TCAAAACAA AGAGAGAGAA GATTTAACAC
61 TAAATCTTAA GAAAGAGTG GTGCAAAACCA ATATGACGAC TCTCTCTT GAAACTTAAAC
121 AGCTAGCCG CAGTATATTCT TACTTCATG TCCCTCTCTT CTGCTTAATCTT CTTCTCTCCA
181 AAATCTCCCG TAACGCTTAACTT CTCAGAGTC CAACTGCGT GCCTCTCTT GAACTTAAAC
241 TGATGATGGG CGAGTAACTC CACCTGGG TCCGCAAAACCA AGCCAGGAGG GAACTTAAAC
301 GCGAACTTCTT GAACTTAAACCA AGCCAGGAGG GAACTTAAACCA AGCCAGGAGG GAACTTAAAC
421 AGCTACAC ATATGCAAGG CGAGCAATGG CTTCAGACCCG TTTCAGACCCG TTTCAGACCCG
481 AGTCAAGGAA ACTATGCTGA ATGAAACTCT TCAAGCCGAA AGCAGCTGAG TCTCTGGCGC
541 CAGTCAGGAG CGAAAGGAGT TCCATGTTAA GAAATGTAAC AACCAACAAAC GAACTACAGG
601 TTAATCTTAA GAAATGTAAC CTCGCAAAACCA AGCCAGGAGG GAACTTAAACCA AGCCAGGAGG
661 AGTCAAGGAGT CGAGTAACTC GAAAGGAGT TCCAGCTGCTT GAACTTAAACCA AGCCAGGAGG
721 TATGTTGGG GAAATGTAAC AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA
841 TTGAGTGCCAA TATGTTGGG GAAATGTAAC AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA
901 GAGGAGCTCG TATGTTGGG GAAATGTAAC AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA
961 AGTCGGAGA TTTCAGAGAT GCTATGAGAC TTTTATACAG TGAGGAGAGCA AGCTTAAACCA
1021 TGGATGTAAT GCTATGAGAC TTTTATACAG TGAGGAGAGCA AGCTTAAACCA
1081 AGTCAAGGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA
1141 GAGTCAAGGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA
1201 TAAAGAGAAC TCTACGACTT CACCTCCCA TCCCTCTCTT ACTCCATGAG AGCCAGGAGG
1261 AATCCACCTT CTCGGCTAC CATACTCCCA TCAATGCGG CAAAGTCACA TAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
1322 CCATGGGGG TCAAGAAATAT TCAAGGAGAGT ATCCGAGAA TTAATGAGGAGG GAACTTAAACCA
1381 TGGAGTAAAG TGATCCAGAT GCTATGAGAC TTTTATACAG TGAGGAGAGCA AGCTTAAACCA
1441 AGTCGGAGA TTTCAGAGAT GCTATGAGAC TTTTATACAG TGAGGAGAGCA AGCTTAAACCA
241 AGTCAAGGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA
301 DLONAIRLTK DNIKAIJDMW MF6GTETVAS AIEWMAEHL RSPDPLKVM QELANVVGNL
361 RPKVSEDEPK LTYLRLCCLKE TLRLLPPIPL LLLTETAAEST VSGCHIPIAK HVIINSFAIG
421 RDKNWSDEPE TTYKSRSLKE TYPDFKGNP ETPFPGSGRGT SCFGPQULGY ALEMVAHNL
481 HCFYWELPDG MKPSELQHDD FGTATPAPRN RLVAVYPTPL LCPLY

【図86】

FIG. 86

NAME D105-AD6
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 171

1 TGGCTCTTCTT ACTGGGGGGG AAGGGCTTCA ATATGGGAGT ACCATATTAAC AGCTTAAACCA
61 TTGCAATTC TTCACTTCA ATTATCTTGC ATTATCTTGC TACTAAGAGG GGCATGGAA AATCTTAAAC
121 AGTCTGTTT AAAACCAAA GAATGGAGA AATACCTCG AGCAGGGT TTCAAGAGAA
181 ACTCTTACAA ATTCTGTTT GGGGATATGA AAGGAGTGA GAACTTAAACCA AGCCAGGAGT TTCAAGAGAA
241 ATGATGAGCC ATATCTTGC TTCAAGAGAA GAACTTAAACCA AGCCAGGAGT TTCAAGAGAA
301 AGTCAAGGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
361 TTCTGATCCG AGGGCCGGAA CTTGATGAG AGGAGCTAC AGGAGATTC GTCATATCAG
421 AGCCGCTTCG CTCATCACTC AAGAAGTGA CAGGAGCTAC ATTTCGAGG CTTGAGACCA
481 ATAAATGCGC TACACATCA AGGCTCTCA ATCCCTGCTT TCACTCTGAG AGGAGATTC GTCATATCAG
541 ATATGCTTCA TCACTCTCA TTATCTGCTA TTGAGAGTGA GAACTTAAACCA AGCCAGGAGT
601 TTTCAGCTAC CGGAGAGGAGT GAACTTAAACCA AGCCAGGAGT TTTCAGCTAC AGGAGATTC GTCATATCAG
661 ATGAGAGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
721 TAAAGAGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA
781 GGTGTTTCTGC ATTATCTTGC AAAAGGAGTGA GTATGAGTGA AATATGGAGA GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
841 7GGTATTGCG ATTATCTTGC AAAAGGAGTGA GTATGAGTGA AATATGGAGA GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
901 ATTATCTTGC ATTATCTTGC AAAAGGAGTGA GTATGAGTGA AATATGGAGA GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
961 AGAAATGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
1021 TAAAGAGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
1081 ATGGATGAGG AGAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
1141 ATGCAAGTGA GAACTTAAACCA AAAATATGAA CTATGATCTT AAACGGAGT TTAAAGGAGT
1201 ATCCACGAG AGATGTTGAT AATGCAAGTGA TAAACAGAAGG AACAAGGAGT GGGAAATTTG
1261 GTTACACAG CGGGCTTCA CTCGCTGTTT CTCAGCTGAG CAACTGAGTGA GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
1321 TAAAGAGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
1381 AGCAGGAGG AGAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
1441 AAATTTGCG TTCTCTGAG GCTAAATGAG GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA
1501 TTGAACTTCG TCCATCTTCACT GCTCATGCTC CTATCTCACT AGTACTCTCA CCTCAATATG
1561 GTGCTCAATC ATTATCTTGC AAGTGTAGA TTATGCTTCAAT TTGGACTCTG TTATGCTTCAAT
1621 TTATGCTTCAAT TTGGACTCTG TTATGCTTCAAT TTGGACTCTG TTATGCTTCAAT
1681 TGT

SEQ. ID. NO. 172

1 MELPYSLSKI AISSFAIIYF LWRWAKILNY VWLKPKELEK YLRQQGPKGNK SYKFLFGDMK
61 EMKNGEEDAN SKFNFNISHM IWFWMWPFH KITINNGKNC IWFGRPRPAV LITDPELVEK
121 VLRVTFYQK VLRVTFYQK VLRVTFYQK VLRVTFYQK VLRVTFYQK VLRVTFYQK
181 SPTVWVWVW SPTVWVWVW SPTVWVWVW SPTVWVWVW SPTVWVWVW SPTVWVWVW
241 SPTVWVWVW SPTVWVWVW SPTVWVWVW SPTVWVWVW SPTVWVWVW SPTVWVWVW
301 KETQOQNNK KFGMISDEVI EKZKLYEPAG QETTSSLWVW TMILLCKYFV WQDKAREEV
361 QVFGSEVDVY DKNQLKIVT MLINEVRLY PAGVVINMVM NKEKTLGHL CLPAGVQVILP
421 TMLLQHDTI WGDAMFEMNP ERFSDCISKA TIGKLNWFFF SWGERCICQG NFAMLEKMS
481 NMMLKTYAF ELSFSYAHM HPLLQPOQY AQLILYKL

【図87】

FIG. 87

NAME D109-AB8 (14,1697)
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 173

1 CCAGACCCA GACATGGAGA ATTCGGGGT AGTGTAGCC TTAAAGGCGG TCTTACAGT
61 AGTTTCTTC TCAAGATTTA GCTATGCTT GCTATGAGAC CAACTTCACTC CACGGATCTC
121 AGTCAAGGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA
181 AGTCAAGGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA
241 CCTTATTTA TCTCTCCCG AGTATGGCTG AGAATCTCTG AAAACAAATG AGCCATTG
301 GGCTTCTCGC CTCTGAGCTT CGCGCTGTTA AGTATGCTG AGTATGCTG AAAATCTCTT
361 ATGGGACAC TATGGACCC TTTGAGACA AGCAGGAGG AGTCAATCTCA AGCAGGATTT
421 CAATCTCTAA GGTGTTGAGT CATTGAGATA CATTGAGATA GAGGAGAGG AGTCAATCTCA
481 AGTCAGCTCA AGTCAAGGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA
541 GAGTCAAGGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
601 CCAGAAATTCG ATGATAACTCT TGAACAACTC AGGAGTATG CTGTTGAGTGA AGTGTAGCTG
661 TAATGGGGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
721 AGATGATCA AGGGAGCTAA GGGGGAGAGA GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA
841 TTGTCGAGAG AGTCAAGGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
901 GGTGTTTCTT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
1021 CCTCTGAGTC TCAAGGAGA GATGGGTTCA TAACTCTCA AGTCAAGGAGT GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
1081 TGAGTCATC AGTCAGGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
1141 CATTGAGGG GNGGGAGAGA AGTGTAGCTG ATGTTAGAG CTATGAGATA CAAAGGAGT
1201 TGTCAGAG AGTCAAGGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
1261 AGTCAAGGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
1321 ATTCGGCGG GGGCCGGAGA AGTGTAGCTG ATGTTAGAG CTATGAGATA CAAAGGAGT
1381 AACCTTGGTAC ATATCTGCTA TTATGCTTCAAGTGGAGT TCAAGGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
1441 AGACATTAAG AGTCAAGGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
1501 GATGATGAG CTCGACTTCA CAAACAACTT TTACAAATAGA TTGAGATTAAT AAAACATTA
1621 TGAGTGTCA GTCGACTTCA GGGGATTTGAGTCA AGTCAAGGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
1681 TAAAGAAA TAAAGAAA

SEQ. ID. NO. 174

1 MENSVNLJL PGLLQHDTI KPLMSPKWW KPLMSPKWW KPLMSPKWW KPLMSPKWW
61 KRGKQHWW KPLMSPKWW KPLMSPKWW KPLMSPKWW KPLMSPKWW KPLMSPKWW
121 KPLMSPKWW KPLMSPKWW KPLMSPKWW KPLMSPKWW KPLMSPKWW KPLMSPKWW
181 ISRTLUSKG FSSEPSGONM ITKLOLQML DFLPFLNGV1 NIGDWPWPL FLDLGVYQK
241 MKELRNWFLR FHFVFLDQH ANRGENKVMF RDWVBLVLLQD AEDPNLVEKL TNDCKVGKMQ
301 DLLAGGTDTA ATTCWEMAYE LLRQPKIMK AQQELDVLIS QDRWVQEKDY TQJLPYIESII
361 KETLRLHPWS TMJFPIRALK DCHVAGYDIP KGTILVNTW SIGNRSQHWS SPEEFLPERP
421 EKGNIGVITQ HFPLLPFGAG RRRKCPGYSIG IRIIRATLNL LHLGWNRLP NGMSPEDISM
481 EKJYGLTHP KVALDVMWMEP RLPNHLYK

【図88】

FIG. 88

NAME D110-AP12 (166,1631)
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 175

1 ACTCTTCAAG TCAAGAGAGAC AGCCTTCTG CTCCTCTGTTA TAACTTACCT AGTGTGCTG
61 AGTCAAGGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
121 AGTCAAGGAGT GAACTTAAACCA AGGCTAGAG CGTGCCTGGA TTGGCTGCTT GAACTTAAACCA AGCTTAAACCA
181 GGTGTTGATTA AGGAGCTAA CTCCAAACCC AGTGTGATTT CTGAGTATGTT TGCCCGAGA
241 TTGGTGTGATTA AGGAGCTAA CTCCAAACCC AGTGTGATTT CTGAGTATGTT TGCCCGAGA
301 GGTGCAACAA CGCTGGTTT TTGTCTGGAC CCGGGCTCA TAAAGGAGT AGTCTCTCAA
361 AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT TCACTCTCA AGTGTGCTG AGTGTGCTG AGTGTGCTG
421 AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT TCACTCTCA AGTGTGCTG AGTGTGCTG AGTGTGCTG
481 TTGGTGTGAGG AGTCAAGGAGT TCACTCTCA AGTGTGCTG AGTGTGCTG AGTGTGCTG
541 AGTGTGAGG AGTCAAGGAGT TCACTCTCA AGTGTGCTG AGTGTGCTG AGTGTGCTG
601 CAACAAATTA CTACTGAGT GATCTCTGG AGCCTTCTG AGTGTGCTG AGTGTGCTG
661 AGTCAAGGAGT TTGAGTATGAG AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT
721 GTTATTAATTC CAGGCTGGAG GGTGTTGAGCA TCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT
841 AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT
901 AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT
961 AGTGTGAGT ATTCTGTTGG AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT
1021 TTGGCTGAGCA GGCATCTGA TTGGCTGAGCA AGTGTGCTG AGTGTGCTG AGTGTGCTG
1081 GGGGAATCAGA AGCCTTCTG AGTGTGCTG AGTGTGCTG AGTGTGCTG AGTGTGCTG
1141 GGGGAATCAGA AGCCTTCTG AGTGTGCTG AGTGTGCTG AGTGTGCTG AGTGTGCTG
1201 AGTGTGAGG AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT
1261 TTGGCTGAGG AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT
1321 AGAGATGGAG TCTCTGAGG AGAAGGAGG AGAAGGAGG AGAAGGAGG AGAAGGAGG
1381 CCAGAGAGAT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT AGTCAAGGAGT
1441 ATGTTACACAG GGTGTTGAG GGTGTTGAG GGTGTTGAG GGTGTTGAG GGTGTTGAG
1501 ATGTTACACAG GGTGTTGAG GGTGTTGAG GGTGTTGAG GGTGTTGAG GGTGTTGAG
1621 AGTGTGAGT GGTGTTGAG GGTGTTGAG GGTGTTGAG GGTGTTGAG GGTGTTGAG

SEQ. ID. NO. 176

1 MENSVNLJL PGLLQHDTI KPLMSPKWW KPLMSPKWW KPLMSPKWW KPLMSPKWW
61 EYVSHWUHNO ANSHPNLHSD DIAPRILVFFF DFLTINWYKSKF SFVWLGPKL FVFMWDPFLK
121 EYVSHWUHNO KPLMSPKWW KPLMSPKWW KPLMSPKWW KPLMSPKWW KPLMSPKWW
181 TEMLSKWED VAWEGSHKDLW IPWGLQOULS DVSITSTAFGS SYEASRGRF LQKEQAFQIFN
241 SMFKEIQLWG WRFPLPTKRN RMKEIQLDVK ALVYQIILDKR VSKMKAEGVN NEDLGILLSE
301 VLQVFQNGK DFDFSLNRLK VTMILYESLR LYPPVUVTLR RPKEDTVLSD VELPAGVLIS
361 LPVLLHPLHDE EIWQKDAKKE KPERFRDGVIS SATKQSVTFF FTTWGRFICL GQNFALMELAK
421 TTLMILQRF SFLSFSTYAN AFQSIITLQF QYQAPLILHK I

【 図 8 9 】

【 図 9 0 】

FIG. 89

NAME	D112-A25	ORGANISM	NICOTIANA TABACUM			
SEQ. ID. NO.	177					
1	ATTTATCTCTT	GAAATGCGA	TTCCTGCTT	GGCTTTGTT	TTCGCTATCG	CGATCTTCG
61	TATTTTCTCTT	GGATTTGCGA	TGATTTGCGA	TCAGGCGGCG	CGATTTGCGA	CGACAGCTTC
123	TCTTCTCTCT	GGCTTCTCTA	GGAGAGCTTC	TCTGAGATGT	GGCTGGTGTG	GGCGAGCTTG
181	TCCCGGAGAA	TCTTCCCGAA	AGGGACGAC	CATTCTTCA	CCTTCAGTAA	GGCGAATMTT
241	CTGGCTGTGT	GGTTGATCTT	AGGGACGAC	AAAGAGAGT	GCTTAAACAT	CTAGACGUCG
301	TTTTTTGGCT	TAGGGCTTAA	TATGGACGG	TGGACATTAT	CTTGTATTAAC	CGTCGCGACA
361	TTCCTGGCT	CCCTTAAGG	GACCATGG	GAAATCTGG	TTAATTTTGT	GTCAGGACG
421	TTCCTGATTC	AGAAATGATG	GCTTCTTGTG	CGTCATCTAC	TTTCTTCTTG	GGCTGGGAGA
481	TCTTCTCTCT	GGATTTGCGA	TGATTTGCGA	TCAGGCGGCG	GGCTGGTGTG	GGCGAGCTTG
541	TCTTCTCTCT	GGCTTCTCTA	GGCTTCTCTA	GATCGACGTA	GGCGAAGTA	CTCAAGGGCG
601	GGAGACATTT	TGGCCAAAGG	ATAGGAGAG	TATGGATGG	AGCGAACAG	TTGTCATGTTG
661	TAGACACTCTT	CTCTTACATG	AACTTGTCTC	ATGTCGTTCT	GGTGGATGG	CTAACATTAC
721	TGGAATGCTT	CCCTTAAGTA	GAGGCTTAC	TGGAGATG	CATCACGAG	CNCAGAAATG
781	ATCTTGCGAC	TGGCAAGATG	ATGGCGCAT	TAGGGCGGT	AGATGCTTAT	GGTCCTCCTG
841	TGGACGCTT	GGATGACGAA	GGATGACGAA	GGATGACGAA	GGATGACGAA	GGATGACGAA
901	TGGCTGCTT	GGATGACGAA	GGATGACGAA	GGATGACGAA	GGATGACGAA	GGATGACGAA
961	TGGCTGCTT	GGATGACGAA	GGATGACGAA	GGATGACGAA	GGATGACGAA	GGATGACGAA
1021	CTCTTAAAGGA	TAATGATCTT	TGTTGAAA	AGRRNGGTT	GGAGCTGAA	TACTCTTAACT
1081	TAAGCTTAA	GGAAACTTCT	AGGACTCTT	CACTCCCTTC	ACTTTTGCTC	CGAACAGAAT
1141	CGAGGGAGA	TAAGGGATTA	AGGGCTTCA	CTATCTTC	AGGAGGAA	GTATGAGGAA
1201	ATGTTGCGC	ATGGGGAGAA	GGGGCTTCA	CTATCTTC	AGGAGGAA	GTATGAGGAA
1261	CGGGGGGG	GGGGGGGG	GGGGGGGG	GGGGGGGG	GGGGGGGG	GGGGGGGG
1321	CGGGGGGG	GGGGGGGG	GGGGGGGG	GGGGGGGG	GGGGGGGG	GGGGGGGG
1381	TGGCTCTTCT	ACTCTCTCTT	TCTGGAGGT	CTATCTTC	AGCTTACCTT	TACTTACCAT
1441	TGGCTCTTCT	CGAATTTACG	GGAACTTAC	TCTGGAGGT	GGCGATGAT	CGAACAGAAT
1501	TCATCTCTTA	TCACCTCTT	CGAGGATAT	TAACTTCTG	CATAAACATT	TAAATTCTT
1561	TCATCTCTA	TC				

SEQ. ID. NO. 178

FIG. 90

NAME D120-AN4
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 179
1 ATATATGTTT CTCCCATAGA ACCGATTGTA GGACTAGTAA CCTTCACATC TTCTCTCTC
61 TTCTCCGAA CAAAAATC TAAACCAACT TCAACAACTT CCTACCCGAA AACCCGAA
121 GGAGTGGCGG TATTCGGCCG CCTTTCTCCG TTGCTGCGG AGCGGCGGAA GCGGCGGAA
181 GCTCGGACG TCGCCGAGG GCGGAGG GCGGAGG GCGGAGG GCGGAGG GCGGAGG
241 ATCTGTTT TACGTTTACGTCGAGCTT GAGCTTCTT GAGCTTCTT GAGCTTCTT GAGCTTCTT
301 GACCCCTTCTT TTCTTCTT GCTCCCTT GCTCCCTT GCTCCCTT GCTCCCTT GCTCCCTT
361 GCGCTTCTTCTT TTCTTCTT GCTCCCTT GCTCCCTT GCTCCCTT GCTCCCTT GCTCCCTT
421 CAGGAGCTT CCTGGCTTCTG CCTGGCTTCA AAATTCACCA TCTGGAGATC TGAGGAGAT
481 CAAGGAGGACA TTAAAGGATTT ATTAATGCA ATTTGAGGAA TTTCAGGACT GATTAATTTA
541 ATCTGTTT TAAAGGATTT GATTTGTTG CTTGATGAA AGATGAGGAA GATGAGGAA GATGAGGAA
601 TTATGATCCG GTTAAAGGATTT GATTTGTTG CTTGATGAA AGATGAGGAA GATGAGGAA GATGAGGAA
661 AGGTTGTTT GATTTGTTG CTTGATGAA AGATGAGGAA GATGAGGAA GATGAGGAA GATGAGGAA
721 TTGGATTTT AGGGCCAGT TTTGGATTTT GATTTGTTG CTTGATGAA AGATGAGGAA GATGAGGAA
781 TTGCAAGTTT GGTGAGGGAA ACATTTATTA AAGAGGAAA AATTTGGGG AATTTGGGG AATTTGGGG
841 GGGATGATTTT GATTTGTTG CTTTCAAAA TGATTTGTTG ATATTTGTTG
901 GAAAGTTTCTT CTTGGTGTAC TCTGATTTA GACGAGGTT TTAGTTGGT CTGGTGTGCA
961 CGACACAGG TTTCTTCTCA PAATTTAGG GAGGTTGTTG TTGTTGGT TTGTTGGT
1021 CCTGGTGTGTTT GAGGAGGAA GAGGAGGAA GAGGAGGAA GAGGAGGAA GAGGAGGAA GAGGAGGAA
1081 TTTGGTGTGTTT GAGGAGGAA GAGGAGGAA GAGGAGGAA GAGGAGGAA GAGGAGGAA GAGGAGGAA
1141 TTTGGTGTGTTT GAGGAGGAA GAGGAGGAA GAGGAGGAA GAGGAGGAA GAGGAGGAA GAGGAGGAA
1201 TTACCCGCG TCTAAGGGACG AGGATTCACCA GAAATGCTCA TTGACAGCTG AGCTTGATCTC
1261 AAACCTGGC CTGATGCTGA TTTCTTGGC CGAGGAGAA TTGATGCTCA TTGATGCTCA
1321 TTCTGGTGTGTTG AGGATTTAATTA GTATTTATTA TTGGTGTGTTG TTGATGCTCA TTGATGCTCA
1381 ATGGCTTCTT CATTCAGCTG GAGGACCTA AACGAGGAA ATTTGGAGCA AGGTTGGTCA AGGTTGGTCA
1441 TACGAACTG GAACTGAGG GCGCTTGTG ATGAAAGGAG GAGGAGGAG GAGGAGGAG GAGGAGGAG
1501 AAGGTTGTTT CTGTTGGACT GAAATGAGG GAGGAGGAG CTTCTGGCG CACCTGGAGT TTGATTAAC
1561 CTAAGCTTCTT TCTATGTTGTT GATGATTTT GATGATTTT GATGATTTT GATGATTTT GATGATTTT
1621 TTCTTCTTCTT GAA

【 図 91 】

【 図 9 2 】

FIG. 91

NAME D121-A8
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 181
1 AACCTATAGG AGCTTCTTCC ATTTGAGAACCA TTCTGAGGACT AGTAACTTCG ATCTGTTCTG
61 TTCTGAGGAGG ATTCAGGAAA AAATCTGAA AGCTTCTGAA ACCTCTTACCA CGGAAATTCG
122 CGGAACTTCTG CGGCGGTCG CGGCGCTTCTG TTCTCAGCTTG CGAAGCGGCCG GAGCAGCGC
181 CTCTGCTCG AAAATCTGCGA TACTGAGTCG ACGAAACCCG CGGGCTCTTTG ATCTTGTGCG
241 TAGGCTCTCG CTTGCTCTTA TTGTTGAGCA TTGAGGAGC TGTAAAAGAA TTGTTCTCTA
301 CAATAGGAGC GATTCTTTC AGCTTCTGCG TTCTTCTTCA CGGCGNTACG CTGTCGCTAC
361 ATATGGCTTACG GCTTTATTTG CGGCTTCTGG GACTCTTGCG CGGAAATTCG CGGAAATTCG
421 TTATTCAGGA AGTTCTTCTG CGGAAATTCG CGGAAATTCG CGGAAATTCG CGGAAATTCG
481 GANTTCTGG GAGCTTCTG CGGAAATTCG CGGAAATTCG CGGAAATTCG ATCTGCTTAA
541 ATTTCTGCTG TTTCTGTTAGA GAACTTCTG GAACTTCTG GAACTTCTG GAACTTCTG
601 AAATTTCTGCTG ATCTGGCTTA GAACTTCTG GAACTTCTG GAACTTCTG GAACTTCTG
661 ATTTATGATG ATTTCATCAG GAGTTGGTG TTATGGCTG ATTTGGCTG ATTTGGCTG
721 AAGGGCTGGG TTTTCAAGGG CATTGTTAGA CTGAAAGAA GATTAATTTA GATTAATTTA
781 CTGTTTCAAGG GATTTGGTG GAGGACAGAT TTATGAGA TGTTGAGG ATTTGGCTG
841 CAGAAGGG TGAGCAAGAT TTATGAGA TGTTGAGG ATTTGGCTG ATTTGGCTG
901 ATGGCTGGG GAGGCTGGG CTTTCAAGG ATTCGGGGAT GGGATTTTG ATTTGGCTG
961 ATGGCTGGG GAGGCTGGG CTTTCAAGG ATTCGGGGAT GGGATTTTG ATTTGGCTG
1021 AAAAGGCGCTT GCGGAGCGA CAGAAGAGA TAGCAACAA AGTTGGCTG GGGATTTTG ATTTGGCTG
1081 TAGAGAGGAG GATTTAGTTG GATTTGGCTG ATCTGGCTG ATTTGGCTG GGGATTTTG ATTTGGCTG
1141 GATTATCTG ACCAGGAGCG CTTGGTACTG CAGGAGAGA TAGTGGCTG ATTTGGCTG GGGATTTTG
1201 GTGGTCTGAGA CATTGCTGCTG GGGAGAGAGA TAGTGGCTG CTCGTCTG GGGATTTTG ATTTGGCTG
1261 ATCTCAACTG CTGGTCTGCTG GGGAGAGAGA TAGTGGCTG CTCGTCTG GGGATTTTG ATTTGGCTG
1321 GATCTGCTGAGA CTTGGTCTGCTG GGGAGAGAGA TAGTGGCTG CTCGTCTG GGGATTTTG ATTTGGCTG
1381 GATCTGCTGAGA TTTCTGCTG CAGGAGGCG ACTTCAACAT GGGATTTTG ATTTGGCTG GGGATTTTG ATTTGGCTG
1441 CTCTGCTGAGA GATCTGCTG CAGGAGGCG ACTTCAACAT GGGATTTTG ATTTGGCTG GGGATTTTG ATTTGGCTG
1501 TAGCTTGAAGT AAATCTGCTG GAGCTTCTG TAGGCGCTCG CTCGGACCT GGGATTTTG ATTTGGCTG
1561 AAAACCTGCTG ATCTCTGCTG TTGTAT

880

FIG. 92

NAME D122-AF10
ORGANISM *TRIATOMA TABACUM*
SEQ. ID. 103
1 CTAATACCC ATTAACTGGT CTCGGCTGAG AGGATCCTTGA GGACTGATGAA CCCCCTTACAT
61 TCTCTCTTCATC TCTCCATGGC CAAAATTATG TCAAAACACT TCAACACAT C TACCCGGA
121 ATTCCTCCCGA GGGTGGCGGC TTAATCGGACCA TCTTTCTTCATG TTGAGATGATC AGGACGAGA
181 CGGCCTGATCC CTTGGCGACTT GAGTCGACAA AGTTCGACAA TACGGCCGGC TTTCACCTT
241 CGGCCTGAGC CTTCCGCGTTG TTGTTAATGAG AGGTGATC AGGCTGCTG AGAACCTGT
301 CTTCGAGCTT CTTGGCGGTTG TGTGTTGAGG AGGATGATC AGGCTGCTG AGAACCTGT
361 TCTGGCTGAGC TCTGGCGGTTG AGGATGATC AGGCTGCTG AGAACCTGT TTATGGCGGA AATGGTAA
421 ATTAGTACCTT CAGGAGGAGC TTCTCTGAGG TGTCGTCGAGA AAATTTGAGC AGCTGGAGAT
481 TGGTAACTTCTT CAAAGACGCA TTAAAGAGTTT ATTAACCTGA ATTATGCGAA ATTCTGACAT
541 GATAAACTTA ACTGTAGTTGG TAAAGAGAA GTATTGTTTG CTGATCGCGA AAATGAGCG
601 TGGGAAATTTT TAAAGTATTCG CTTAGGAGGA TGGACAGCTG GAGGATGATC GGAGGATGAA
661 TTAGGGATTTT ATTAATTTGGT CTTAGGAGGA TGGACAGCTG GAGGATGATC GGAGGATGAA
721 TGGGAAATTTT TAAAGTATTCG CTTAGGAGGA TGGACAGCTG GAGGATGATC GGAGGATGAA
781 AGCTGGCTT CTTAGGAGT GGTGGTGGAGA ACAGTCGAGA PAAGAGCAGA AAATGGGGGT
841 TAATGCAAA GGGAAATGAC AGAAATTGTTT TGTGTTGCTGTG CTTCTTCAAAGA TGGTAAAGTA
901 ATTACTTGTG GAAAGGTTTCTG CTTCTGATAC TTGCTTAAATA CCAAGACAGT TTGATGTTG
961 CTGGTGGACTCT GGGGACAGACG TTCTCTGCTCA CAAAGTGGT GGGATGAGCTG TACTGATAAA
1021 CCAACATGCTT CAAAGTGGT AGAACAGACAG TGGGATGAGCTG TACTGATAAA
1081 AGCTGGCTT CTTAGGAGGA TGGACAGCTG GAGGATGATC GGAGGATGAA
1141 AGCTGGCTT CTTAGGAGGA TGGACAGCTG GAGGATGATC GGAGGATGAA
1201 TTGTGATGTTGAA TTAACGCTT CTAAGGAGGAG TGGACTGTTT GGGACGCTT GGGATGATGCA
1261 GGGCCGCTTCTTAAACCTGGT CAAATTCCTGG TAAAGTCTGAGA TTCTGGGTTA CTTGGGCTG
1321 TTGATGATTTG CTTAGGCTGGC AGGACTGATC TTGTTTACCA TTTGGGTTCA CTTGGGCTG
1381 TTGTCGCGGG AGTACGATTTG CTTAGGAGGAG GGGACAGCTC ACAGATGATC TTCTGGGCTG
1441 GGGTTCTTCTT CAAACATGCTT CTTAGGAGGAG GGGACAGCTC ACAGATGATC TTCTGGGCTG
1601 AACTAATGAG CTTAGGAGGAG GGGACAGCTC ACAGATGATC TTCTGGGCTG
1561 TTATTAATGAG CTTAGGAGGAG GGGACAGCTC ACAGATGATC TTCTGGGCTG

SEQ. ID. N

61 PKJXJLHGR GPFVTFUCLG PFLHVLVSGY AVDPCDFTD AIFSPVHJLQ YEGLGNNW
121 MFLXVTKGP WPNRKKVLCG BAVSLXRIE LKHFVKGQK TS1KSLVTRI DGNSTNLT
181 DLWLEKQYH VTFKLMAGQY BSSGKQDGEV RFRKAYKDFI AEPF1PLVJL
241 DFOGYVYKMK RKFDDISVW NLEHNLVXHK REVMRQVNG NQDFDFFVJL SKMSNEYLD
301 GYSRDTVQKA FTFSVSLDIA DFTVJHNGH NALLINHQL KQKAGEEIDL KVGRKQW
361 SDIDKVVQKA AIVKELVYQ PEGFELVHNE NMEVDDCVSY HGFKHTGLFA NMQLKQDRK
421 LWSNDFKPB ERFKPFADW QHGHYEFTE GSGSRSPCGM TYALQVREHT IAHLIQGPNY
481 KTPNDEPDB KEGAGTTRI WNFVWETPTA RIAPELY

【 囮 9 3 】

FIG. 93

NAME D128-B7
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 185

1	CGAGGCTCCC	CACCAAAAA	TCTCTTCTT	CGTGTGAT	GGATGCTTC	TCTTACAGAA
61	AGGACTTCTT	GGCTTCTT	TCTCTTCTT	TATTCCTT	GGATGCTTC	TCTTACAGAA
121	CAAGGCTTCTT	GGCTTCTT	GGCTTCTT	GGCTTCTT	GGATGCTTC	TCTTACAGAA
181	TTCTCTGCTT	TTATTAAC	GGCAAGGCT	TCTCTTCTT	GGCTTCTT	TCTTACAGAA
241	TTCTCTGCTT	AGAAGTGGT	CAACGGAAT	TCTCTTCTT	GGCTTCTT	TCTTACAGAA
301	AGAAGTGGT	ACACACAA	GGTGCTGAT	TCTCTTCTT	GGCTTCTT	AGAACGAA
361	ATATTTTAC	GGAGAAGG	CAAGATGAT	TTTTTACAT	ADATGTTG	CAAGGAGA
421	RAATGGCG	AAATTAGC	GGAAATTTT	TTTTTACAT	ADATGTTG	CAAGGAGA
481	GGATGTTG	GGGTTG	GGGTTG	GGGTTG	GGGTTG	GGGTTG
541	CTCTCTGG	GGCTTATTA	AGGGAGGG	TCAATTAAT	GGATGTTAAT	AGGTTGTTA
601	GGATTATGTT	GGATAGAGGA	TTGGGAGGT	AGGAGTGGT	TTGGGAGGT	AGGTTGTTAAG
661	CTTGTGATG	GGAGAAGGAT	AGATTTGCTC	AAAGTGTGTA	GTATATGTTA	GGGTTGATTA
721	TTCCATTTT	GGGGCTTTT	TTGGAGGCT	TTTGGAGGCT	TTTGGAGGCT	AGGAGTGGAT
781	TTGGAGGCT	TTGGAGGCT	TTGGAGGCT	TTGGAGGCT	TTGGAGGCT	TTGGAGGCT
841	AGGGGGAGGT	CAACGGCT	TTAATTTCT	GGTGTGAGG	CTTCTGGCT	GGTCGAGCA
901	AGGGGGAGGT	CAATGGAC	ACAGCTTCT	ATGGTGTG	AAACATCAT	GTGTCGCA
961	TTGAGAACAA	ATTATGGCT	ATTTGAGTC	TTGATGCGG	CTGACTGTC	CCCTCTCA
1021	TCCTAAAGAA	AGCTGGGCG	GGATGTTGAA	GGATGTTG	GGATGTTG	CAAGGAGTAC
1081	TAACGGCTC	GGCAGCAAC	GGATGTTGAA	GGATGTTG	GGATGTTG	CAAGGAGTAC
1141	TTCTCTGCTT	GGCTTCTT	GGCTTCTT	GGCTTCTT	GGATGTTG	CAAGGAGTAC
1201	TTGTTGTTTC	AGCAGGAGAC	AAATTTCTTG	TTGGGCTG	TTGGGCTG	AAACACCCGG
1261	TTCTCTGCTT	GGAGAAGGCA	GGATGTCAGG	GGAGGAGGT	CTTGGAGGCT	GGAGGAGAC
1321	TTGGGGCTCA	GGTGGCTGAC	TGGCTTCTT	TTGGGCTG	TTGGGCTG	AGGAGCTGGC
1381	CTGGCTTAT	ACTTGCTT	GGATCTTCTT	GGATCTTCTT	GGATCTTCTT	GTGCTGAGCT
1441	TTGGCTTAT	CTCTCTCTT	GGATCTTCTT	GGATCTTCTT	GGATCTTCTT	GTGCTGAGCT
1501	TTGGCTTAT	GGGAGGAGG	GGATCTTCTT	GGATCTTCTT	GGATCTTCTT	GTGCTGAGCT
1561	TTGGCTTAT	TTATTAAGG	GGTGTGAGG	AAATTTGATA	GGTGTGAGA	TTAAGGCGA
1621	ATT					

【 図 9 4 】

FIG. 9.

NAME	D129-AD10
ORGANISM	NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID.	NO. 187
1	GAACAGCCTT AATTAACGCTT AATATTCGCGC TCCATTAACCGA AGAAAGGAGA GAACTTAAAGA
2	GGGAAAGGATG GAAAGGAAAGT GGGAAAGAAAGA ATTAAGGAGCGC TTCTTCCTCTT GAAAGCTTTCAG
121	ANCTCTCGGC CGAACGCTTCTT TACCTTCGCGC TCCCTACGCTG CTGCTCTCTG CTTCCTTCCTC
181	TAACCTCTGGG AAACAGCTTGG CTCCTGAGGC CTCACCTGCGC TCTTCGCTTAT GATGAGATCGA
241	TGATGTTGGG CCGAACTTGT CACCGTGGGC TTTCCAACTG AGGCCCCAAA TATGGTGTGGG GAGGAGCTC
301	TTTTTCTACG TAAATGGGTT TATTTGCTCA AATTAATGGT CTTCTGGCTCA GCGGAGCTC
361	GGCAAGCTGGG AGGAGGAGGAGG GAGGAGGAGG GAGGAGGAGG GAGGAGGAGG GAGGAGGAGG
421	GGCTTCTGGG AATTTCTGGG GATTTCTGGG CTTTTCTGGG CTATGGCTGG CTTCTGGGCTC TTCTGGGCGGC
481	PGATGCGAAA ATCTATGGTA AAATGAACTCTC TACGGCCGGC AGAACCTGCG AGAACCTGCG
541	CAGTCCTTGG CGAACGCTG CTCAGGGTTGA GAAATGTTAA AACAAACACAA GCGAACGCTG
601	TTTACCTGGG ATGCTTGTGTT TCTACGGCTG CTCGCTATGTT TATCTACGAG GGTGCTTGTG
661	GAACGTTTCG TCTACGAGCTG CTCGCTATGTT TATCTACGAG GGTGCTTGTG
721	TAATGTTGGG TCTACGAGCTG CTCGCTATGTT TATCTACGAG GGTGCTTGTG
781	CTGGATTTATG TATGCTCTGG AAGGCTTGGAG CTCGCTCTGG TTGGCTTCTAT GATTTGCTTGTG
841	TTGATGCGCC TATTATGGG AAGAACGATG ATTTGATTAAG CAAAGGCTTGGAG GAGGTTGCTTGTG
901	GAAAGCTGGT TATGGTGGT GAGGCTTGGT CTTTCTTACG TGAGGAGAGA AAAGTAACTCTC
961	AGTCGCGAGA TTGTTGAGATG GAGGCTTGGT CTTTCTTACG TTACGAGGAGA GAGGTTGCTTGTG
1022	GGGAAAGGATG GAAAGGAAAGT GGGAAAGAAAGA ATTAAGGAGCGC TTCTTCCTCTT GAAAGCTTTCAG
1081	ACGGCTGGG GAGTCTTGGAA GTCTCTTAAAGA ATTAACGACAA AGGGCTTGGCT AGACGTTGTTG
1141	GACTCTAACG AAATTTGTTGA GAAATTCGAGC TTGAAAGAAATCA AACATCTATCA AGATTTGTTG
1201	TAATAGGGAA ATCTACGACT CTCCTCCCTCA CCTTCCTCTT CCTCCCTGAGC AGCCGGGAGATC
1261	ATTCACCGAGC CTCCGGCTGC CATATTTGGCA AAGAATGTTGAGC TGTGCTTGTG
1321	CCGGCTGGGG GAGGCTGGGG GAGGCTGGGG GAGGCTGGGG GAGGCTGGGG GAGGCTGGGG
1381	GGGGCTGGGG GAGGCTGGGG GAGGCTGGGG GAGGCTGGGG GAGGCTGGGG GAGGCTGGGG
1441	TTGGCGGCTGC TTGGCGGCTGC ATTCGACATG GCTCTTATGG TTTTGGTACCA TTGGCTTGTG
1501	ATCTCTGGT TTGTTTACT GGGTGGATTC GAGCTGATG GAAACAAAGC GNGCTTAAAAG
1561	TGGGAGATG TTGTTGAGCT ACGTCCTGCA GAGCTGCTGG ACCTGGTGGCT GGGCTTACTG
1621	CAGGGCTTGGT GGGCTTCCCTT TATTAACTGG AAAAAGGAGG TGGGGCT

```

SEQ. ID. NO. 18
1 MRMQWHRNS TSELTQETR PMFVYQHLSR KPLFLHLSKR RKLPLHGGTC WELLGAWHNGT
61 LKQGQHLLA QLQGQHGVH LQHGGYHCVH VSGBFLDQARV RELLWATVAISYLVLS
121 TYDRAWMFA RPLKQWMLFRS KRAEWSOSDR DADMSWVRV RLLWVGGKQLSNQV
181 GELVSLTSR IIYVRAFGIC SDGGDFGEEF INQFESKFL AFNIDQFLVPL RLLWVGGKQLSNQV
241 IRLAARASL GFDGFSIDSO HIRKTRWAK GNDKNDLWV DNFVDAFLVE RLLWVGGKQLSNQV
301 DLQNAITR DKSIAKIMDV PMSFGETVAN ALXPEAMAEPL RSPFLDQKRV QCLNGLVNGVLSNQV
361 RQEVVQVWV RQEVVQVWV RQEVVQVWV RQEVVQVWV RQEVVQVWV RQEVVQVWV
421 RQEVVQVWV RQEVVQVWV RQEVVQVWV RQEVVQVWV RQEVVQVWV RQEVVQVWV
481 HCKEWLPEQG MPESSLHMDD IJGTAHETR RLLVATEVET RLLPQX

```

【 95 】

FIG. 9S

NAME	D13-5-E1
ORGANISM	NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID	NO. 185
	ATGATGATGAG ATATGAGGAA TACCGATTTTA CACGTTTCA CTTAACATTGTT TTGTGATTTG
61	ATTTCTTCTT GATCTGAGT GGGCGATGGA ATATCTTGATG TATGCTGCTG TAAANACCAA
121	AGGATGGTATG AAATGCTTCA GACACGGGTTG TTTCAGAGGA ATCTTCTTCA ATCTTGCTG
181	GGGGATGGATAG AAAGGATTAAG AAGAAATGGG TGAAGAGCT ATCTTGCTG CAAATCAATT
241	CTCTATGAGC ATGATTTGGT CTAGAGGCG CGCCCTTCAG CAAACACAA TCAACCAATT
301	TGGTAGGAAAG TTGTTTGTGTG GGGTTGGGCC AGAACCGACG CTGCTGATCA CGAGCCCGGA
361	ACTTGAATTA GAGGTGCTAA CGAAGGATTTG CTGTTGATG AAAGCCACCTG GGGACACT
421	CAAGAACATTC GATGTTGTTG GATGTTGTTG GATGTTGTTG GATGTTGTTG GATGTTGTTG
481	ACATGTTGTTG ATGCTGTTG TTCTACCTGG CAACTGGATG GATGTTGTTG GATGTTGTTG
541	ATCTTGCTGT TTGTGAGATG TGTGAACTT GGGGAAAGTT GTCTTCTTCA ATGGGAACT
601	GATAGATGAGG CTTGAGCATTC TAAACACCTT AAGAACTGAG CCGATTCCTTA GAGCTGCTT
661	TTGGCCCTAGT TATGAGGAGA GAGAAGGATG TTGTGACTTA CAAAGGACG ACTTCTTCA
721	ATTTCTGAGA GTTGTCCCGA CATTATCATC CCGGATGGT AGTTTGTTC GAAACAAAG
781	GAACAAAGGA AGGAAAGGAA TATTTATGG AGTACGGAGC CTGTTGATTTG GAAATTATTA
841	GAAGAATGG AGTATGTTGG AATTTGGG AGCTTCTGG AGTACGGAGC TTGTGATTTG GAAATTATTA
901	GGGTTGTTGTTG GATGTTGTTG GATGTTGTTG GATGTTGTTG GATGTTGTTG GATGTTGTTG
961	TGCGATGCTG ATGCTGAGT GAACTTACCTT CTATTTTCCG GGGGAGGAGA CCACTTCAT
1021	TTCTTCTGTTG TGGACTATGA TTGTTTGTG CAAACACCTT ATGGGCTGAG AATAAGCTG
1081	AGAGAGGTTG TTGCTGAGT TTGGAGAAAG GGGGATGTTG TATGACAGAT TAACTGCTG
1141	AAAATATGTA ACTATGATC TAACTGAGGTT CTGGATTTGG TATCCAGCTG GTATGCTG
1201	TAATGCTGAA GTAAACCTGG AATCAACGTT AGGGGATTTG TTGTACCTGG CTTGGGTACA
1261	ACTCTGTTCA COAACAGCTT GTTCTGCTGG TCTACTGAGA ATGGGAACTG CTTGGGTACA
1321	TTGTTGTTGTTG GATGTTGTTG GATGTTGTTG GATGTTGTTG GATGTTGTTG GATGTTGTTG
1381	GTCTTCTTCA TTGTTCTGG CGTCAGATGG AGTATGCTGG GAAAATTTG CTTGGGTACA
1441	GGGCGATGAG GCGATGGCTA TTGGTCTGAA AATTAATGCA TTGGGATCTC CTTGGGTACA
1501	TGCTATGCTG CCTCTACCAAG TACCTACTA ACCTCTTA GGGGTCTGAA TTGTTCTAC
1561	CAAGTGTGAG ATATGGTCAGA TTGGGATCTC TTGGGATCTC CTTGGGTACA

【図96】

FIG. 90

【図97】

FIG. 97

NAME D147-AD3
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 194

1 CTTCTTACAA ACAGATCTGG TCCTCTCCCA AATCACTGAT TCACCCCAA AGTACCAAC
61 ATTCCATGG ARGATCAAA CTGACTCA TATGCCAGAG TATCTCTGAA TACITCTGTT
121 CTTGTGTCCTT TTTCACCAAT TCTTCGCCAG AGGAAACTCA ATTAACTCC AGGCCCAAA
181 CCATGGCCCA TCATCGAACTT CTAAACCTT ATTGGCAATC TTCCATCGC CTCAATCGC
241 GAACTCTCGC TCAAGTGGG AGCCTGATCTT CTCCTGAACTT CTCCTGAACTT AAATCTGAA
301 GTGGCTCCG CCGATGATCTT CTCCTGAACTT CTCCTGAACTT AAATCTGAA
421 TCTGCTTACG GGCCATGATCTG CGGCCAGGCA CGTAGGAGTGC CCTTACGGG ATTATTCAGC
481 AGCGAAAGTC CGATGATCTG CGGCCAGGAG AGTCTGATTC TCTCTCTCT
541 ATTGTGAACTA AAATGTCAGG GAAACCATT GTGTTGAACTT ATTATTCAGC TTCTGAACTT
601 TTAATGTTTA TTGACGAACTT GAAACCATT GTGTTGAACTT ATTATTCAGC TTCTGAACTT
661 TCCGAGGAACTT GAAACCATT GTGTTGAACTT ATTATTCAGC TTCTGAACTT
721 GATGATCTACG GAAATGTCAGT TCCATGAACTT TTCTGAACTT AAATGTTGAA
781 AGCGAAAGC TAGTGACCA GAAATGTCAG AAGTCTTACG AGCAGTGTG TGATGACAT
841 AACATTTAGG GAAATGTCAGT GAAATGTCAGT TTCTGAACTT AAATGTTGAA
901 CAGCTGCGT ATGATCGGAA GTTGGAGATG AGCTTGAGG GACATGATG AGCTTGAGG
961 ATCTCGGAA TCTCTGCTGG TCCGAGGAACTT GAAACCATT GTGTTGAACTT ATTATTCAGC
1021 TCAAGTGGGAG AGCCTGATCTT CTCCTGAACTT CTCCTGAACTT AAATCTGAA
1081 GAACTCTCGT TTGACGAACTT GAAACCATT GTGTTGAACTT ATTATTCAGC TTCTGAACTT
1141 ATATGCAAG AGACATGTCAGC ACTGCAAGG GTGGCACCAA TTCTGAACTT AAATCTGAA
1201 CGAGAGATA TTAACTGAGC AGCTGAGCA GTTGGAGAA GTACTGAGT TTCTGAACTT
1261 GTATGGACTA TTGAGAGAGA CCTCTACATG TGGAGAGAGA GTACTGAGT TTCTGAACTT
1321 AGATCCCGA AAAGGTCAT AGATCTTACG TTGAGAGAGA GTACTGAGT TTCTGAACTT
1381 GATGATCTACG GAAATGTCAGT TCCATGAACTT TTCTGAACTT AAATGTTGAA
1441 AGCTGCTTCTC TTGATGCTTACG TTGCTGTAAGA ATATGACTCC TTGAGGACCTC
1501 AACATGGATG AGATTTCTTACG TTGCTGTAAGA ATATGACTCC TTGAGGACCTC
1561 GAGCCAGACG TTGATGCTTACG TTGCTGTAAGA ATATGACTCC TTGAGGACCTC
421 AGATGACTT TTGATGCTTACG TTGCTGTAAGA ATATGACTCC TTGAGGACCTC
481 DEIFGLSTPK KFPLATVIEP RLSPKLYSV

【図98】

FIG. 98

NAME D163-AP12
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 195

1 TTCTCTCCCT CCTCTACAA ATGGGAGTT CAGTTCTCTA ACTTACTGTC ATTCCTGCTC
61 TTCTCTCCCT CCTCTACAA ATGGGAGTT CAGTTCTCTA ACTTACTGTC ATTCCTGCTC
121 CCTGGTCCTT GGAAATTCAC TTTTATGGA AGTTTACAC TTTTGGCTGT GGCAAGGTC
181 CTTCCTCCTT CCAGCTTAA AAATTTAGCC AAACGCTATG TTCCCTCTT
241 ATCTGACAA TTCTCTACCT CGCTATCA TCACTCTAA TGGCAAAAGA AGTACTAA
301 ATCTGACAA TTCTCTACCT CGCTATCA TCACTCTAA TGGCAAAAGA AGTACTAA
361 ATCTGACAA TTCTCTACCT CGCTATCA TCACTCTAA TGGCAAAAGA AGTACTAA
421 TCGCATTTGG AGCTCTGAGTGC TTGCAAGTGG ATGAGTGGTT TTAGCTGAGT TGCGCAAGAT
481 GAGGCTCTGG AGAGTGGTGC ATCTTACAGA CGACGGCCCA ATCTTACAGI CAATCTTAC
541 GACAGATTT TTGCTGTTACG AGGTTCGGTA ATTITGAGAAG CAGCTTACAGA GAAGATTTG
601 GTGAGACTG AGAAATGTTATG CATTCTTACAGA TTACATGAGT TTCTGAACTT
661 AGTATGCTTACG AGCTTACAGA TTACATGAGT TTCTGAACTT
721 AGCTTACAGT TTATACAGT GGCAATTTGG AAAGATGGGA TGATCTGAA
781 ABACGATCTG GGCGAGATGG TAAATGGGTT ATGAGTGGAT TTGGTGGAGA AGATGCTTAC
841 GATGTTTGGT TAAGATGGT GAAAGATGGT AAATGCTTACAGA TTCCCAATCAG AGATGACAT
901 ATCAATTCAGA TAAATGCTTACAGA TTATGCTTACAGA CAGCTTACAG
961 ATCTGAGGAA TCTCTGCTGG TCCGAGGAACTT GAAACCATT GTGTTGAACTT ATTATTCAGC
1021 ATCTGAGGAA TCTCTGCTGG TCCGAGGAACTT GAAACCATT GTGTTGAACTT ATTATTCAGC
1081 ATCTGAGGAA TCTCTGCTGG TCCGAGGAACTT GAAACCATT GTGTTGAACTT ATTATTCAGC
1141 ATCTGAGGAA TCTCTGCTGG TCCGAGGAACTT GAAACCATT GTGTTGAACTT ATTATTCAGC
1201 AGCTTACAGT TTATACAGT GGCAATTTGG AAAGATGGGA TGATCTGAA
1261 AGCTTACAGC CGAGAGATTT TGAGATTAAT TTCTGAACTT
1321 TTATACAGT TTATACAGT GGAGAGATTT TGAGATTAAT TTCTGAACTT
1381 GTGAGACTG AGAAATGTTATG CATTCTTACAGA TTACATGAGT TTCTGAACTT
1441 ATCTGAGGAA TCTCTGCTGG TCCGAGGAACTT GAAACCATT GTGTTGAACTT ATTATTCAGC
1501 CTGCTTGGT TTGCTGCTTACG TTGAGTGGT TTATGAGTCT TTTATGAGC TAGCAGAAAT TAAAGGGCG
1561 GCGAAACAGA AAAGATGTTATG GTGCTGTTACG TTGAGTGGT TTATGAGTCT TTTATGAGC
1621 CTCCACAAAT ATTATGCTTACG TTGAGTGGT

SEQ. ID. NO. 194

1 MGTGTTTYYA AVFLDILPFL FLSKLRLQPK LNLPGPWKW PIIQNIINLIG NLPHRISREL
61 SLXGPWQOL QFSSFPVVG SVENAKIFL KSMDFINPVR PTKTAGKTT YNYSDTIWP
121 YGPYWRQRR MCLTELESTG RLDSEYVYPA ELLHSLWHL NKISGKFLV LKDYSITLSP
181 VISMWVIGR YLDESENSTV NPFMFKMFL KDKMFLVWV KDKMFLVLL ADDPKLEVKL ERSGVKAFT
241 KVSKRFKDFK YLDESENSTV NPFMFKMFL KDKMFLVWV KDKMFLVLL ADDPKLEVKL ERSGVKAFT
301 DPKLWVWVYV AVTAAWVSLIE LIKKEELPKK ATEELRVRIG QNHWVQEKDI PHLYPIETAV
361 KEPHMLPVA PMVLFRECRE DIKVAGYDQ KOTRVLVSVW TIGRDEFTLW EPEVFKPERF
421 HERSLDVKGH DYELLPFGAG RRMCPGYSLG LKVQASLNL HLFNFSWLP DMNTPDLMN
481 DEIFGLSTPK KFPLATVIEP RLSPKLYSV

【図99】

NAME D163-AG11
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 197

1 CTTCCTCTCA CGCTCTTCAAA ATGGGAACTT CTCCTCTCA ACTTACTGTC ATTCCTGCTC
61 ATCTGAGGAA TCTCTGCTGG TCCGAGGAACTT GAAACCATT GTGTTGAACTT ATTATTCAGC
121 CTGGCTCATG CGAAATTTACG TTCTTATGGA AGTTTACCTG CCTGGAGTCTCA
181 CTTCTCTACG ATGGGCTTAA AAATTTGAGC AAACGCTATG GTCTCTTAA
241 CTGGAGCAA TTCTCTACCT CGCTCATCTG TAACCTCAA TGGCAAAGA AGTACTAA
301 ATCTGAGGAC CGATAGACTG TTGGCGAACTT GGTGAACTT GGGAGCAA
361 GACAGAGGAG AGATAGACTG TTGGCGAACTT GGTGAACTT GGGAGCAA
421 GACAGAGGAG AGATAGACTG TTGGCGAACTT GGTGAACTT GGGAGCAA
481 GACAGAGGAG AGATAGACTG TTGGCGAACTT GGTGAACTT GGGAGCAA
541 GACAGAGGAG AGATAGACTG TTGGCGAACTT GGTGAACTT GGGAGCAA
601 GGTGAGGAG AGATAGACTG TTGGCGAACTT GGTGAACTT GGGAGCAA
661 AGTATGCTG TTCTTACAGT TTCTGAACTT
721 AGTATGCTG TTCTTACAGT TTCTGAACTT
781 AGTATGCTG TTCTTACAGT TTCTGAACTT
841 GATGTTTGTG TAGTGTGAGT AGAAAGTGGG AGATGCTTAA TTCCAATCAG
901 ATCAAAACAA TAAATGCTG CAGTGGCTG CGCGGATCTGG AGAACATCAG
961 ATTTCGGCAT TACGGTCAAAG GAAAGAGAA CCAAGTGTG TTACAGAAGG
1021 GTGAGCCAGC TTGGTCAAAG GAAAGAGAA CCAAGTGTG TTACAGAAGG
1081 AGTATGCTG TTCTTACAGT TTCTGAACTT
1141 AGTATGCTG TTCTTACAGT TTCTGAACTT
1201 AGATGCTTACG TTGATGCTG GGGATCTGG CGAGATCTTC AGATGCTTACG TTGATGCTG
1261 ATCTTACAGC CGAGAGATTT TTGATGCTG GGGATCTGG CGAGATCTTC AGATGCTTACG TTGATGCTG
1321 TTGATGCTTACG TTGATGCTG GGGATCTGG CGAGATCTTC AGATGCTTACG TTGATGCTG
1381 GTTGGACACR CTTCTGCTG AATCTTACG TTCTGAACTT
1441 ACTTACAGT TTCTGAACTT
1501 ATCTTACAGT TTCTGAACTT
1561 ATCTTACAGT TTCTGAACTT

SEQ. ID. NO. 198

1 MGTGTTTYYA FLFLPSLIFL VFLKQWCTHRL LNLPGPWKW PIIQNIINLIG NLPHRISREL
61 MGTGTTTYYA FLFLPSLIFL VFLKQWCTHRL LNLPGPWKW PIIQNIINLIG NLPHRISREL
121 SYFGEYRQI RKCICLLELS AMKVKFVSSII RQDELSKMSV SIRUTPLNLP NLTQKLPWFT
181 SSVICRSALI KICGDQKULI IMRELEISLA GGFISIADFFF TWWMHIDING SKSKLIVKARH
241 KIDELENVWV NEHKQNPADL KKGNGEFFG DLDIVLRLRV ESEGVQIPIT DNNKSKILID
301 MFSAGSETSS TTIWALAEK MKKPFVSLAKL QAEVQSLAKL KKSIFQFEDL DSKYKLYKVI
361 KETRMMPPF LLVPRFRCEDK QAEVQSLAKL QAEVQSLAKL KKSIFQFEDL DSKYKLYKVI
421 ENNSDIEON RQHPPFQGAG PRICGMLPFG LNQVQPLAQ LYHFWKLP NGQTHQNTDM
481 TESPGISATRK RQDILLLATP ABS

【図100】

FIG. 100

NAME D163-AG12
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 199

1 ATCCCTCTCA CTTCCTCTCA ACTTACTGTC ATTCCTGCTC
61 ATCTGAGGAA TCTCTGCTGG TCCGAGGAACTT GAAACCATT GTGTTGAACTT ATTATTCAGC
121 ATCTGAGGAA TCTCTGCTGG TCCGAGGAACTT GAAACCATT GTGTTGAACTT ATTATTCAGC
181 CGCGAGTCA CTTCCTCTCA ATGGGCTTAA AAATTTGAGC AAACGCTATG GTCTCTTAA
241 GATCTTACAGT TTCTGAACTT
301 ATCTTACAGA TTCTGAACTT
361 ATCTTACAGC TTCTGAACTT
421 GATCTTACAGC TTCTGAACTT
481 GATCTTACAGC TTCTGAACTT
541 GATCTTACAGC TTCTGAACTT
601 GATCTTACAGC TTCTGAACTT
661 AGTATGCTG TTCTTACAGT TTCTGAACTT
721 AGTATGCTG TTCTTACAGT TTCTGAACTT
781 AGTATGCTG TTCTTACAGT TTCTGAACTT
841 AGTATGCTG TTCTTACAGT TTCTGAACTT
901 AGTATGCTG TTCTTACAGT TTCTGAACTT
961 GACAGATTT TTGATGCTG GGGATCTGG CGAGATCTTC AGATGCTTACG TTGATGCTG
1021 ACAGCTGAA TCTCTGCTGG TCCGAGGAACTT GAAACCATT GTGTTGAACTT ATTATTCAGC
1081 TGAATGCTG TTCTTACAGT TTCTGAACTT
1141 AGTATGCTG TTCTTACAGT TTCTGAACTT
1201 CGCGAGTCA CTTCCTCTCA ATGGGCTTAA AAATTTGAGC AAACGCTATG GTCTCTTAA
1261 CCGCGAGTCA TTCTGAACTT
1321 TCACTGATG TTACCTTACAGT TTCTGAACTT
1381 AGCTTACAGT TTCTGAACTT
1441 TGAATGCTG TTCTTACAGT TTCTGAACTT
1501 GGTGATGCTT TTGATGCTG GGGATCTGG CGAGATCTTC AGATGCTTACG TTGATGCTG
1561 AAAGCGGGSC AAACGAGAAA AGATATGCTC CTGCTTACAGT ATTATTCAGT GGATTAATTT
1621 CAANATGCTT CTGCTTACAGT TTCTGAACTT

SEQ. ID. NO. 200

1 MEGISFNVVA FLFLPSLIFL VFLKQWCTHRL LNLPGPWKW PIIQNIINLIG NLPHRISREL
61 MGTGTTTYYA FLFLPSLIFL VFLKQWCTHRL LNLPGPWKW PIIQNIINLIG NLPHRISREL
121 SYFGEYRQI RKCICLLELS AMKVKFVSSII RQDELSKMSV SIRUTPLNLP NLTQKLPWFT
181 SSVICRSALI KICGDQKULI IMRELEISLA GGFISIADFFF TWWMHIDING SKSKLIVKARH
241 KIDELENVWV NEHKQNPADL KKGNGEFFG DLDIVLRLRV ESEGVQIPIT DNNKSKILID
301 MFSAGSETSS TTIWALAEK MKKPFVSLAKL QAEVQSLAKL KKSIFQFEDL DSKYKLYKVI
361 KETRMMPPF LLVPRFRCEDK QAEVQSLAKL QAEVQSLAKL KKSIFQFEDL DSKYKLYKVI
421 ENNSDIEON RQHPPFQGAG PRICGMLPFG LNQVQPLAQ LYHFWKLP NGQTHQNTDM
481 TESPGISATRK RQDILLLATP ABS

【図101】

FIG. 101

NAME D205-BG9
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 205

1 TCTTATTTT GATTCACCA TGGAGACCA ATATCTCTAC TCATTCCTCTT CCTACTCTA
61 CTAGCTATA GACTCTTC TCTTCACAT TTTCGTCAAA TATTCCTCCC ATCCGGAGAG
121 AACTTACCT CCACTCCAT CACCTTACAT AGCTTAATAT GCTCTCTTTT TTACACCC
181 AACTCTCTC ATCTCTCTC TTCTCTCTC ATAATTTGGT CACCTTACCC TTCTCAGAG
241 ATTGGGCTCT ATCTCTCTC TTCTCTCTC CAACTTACCC GCTCTCTCTC ATCTCTCTC
301 GCTCTCTCTC TTCTCTCTC CAACTTACCC GAAAGCTGG GCTCTCTCTC ATCTCTCTC
361 ATCTCTCTC TTCTCTCTC GGGCACCTTA TGSCCAACTT TGAGGAACTTC TTCTCCGCTT
421 AACTCTCTC GACTCTCTC TTCTCTCTC CCTACAGAAA ATCTCTCTC TTAGGAGATCA
481 AGAGTCTGCA ATATTTACAT TTCTCTCTC CAAATCTCTC AGAGTCTGCA ATAAAAGATG
541 CGATTGAC ACTCTGCTCT TTACTTGGC TTTCACCTCA ATGACCAAAA TTATCTCTG
601 CGATGATAT TTGAGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG
661 ACTCTGCTCT ACTCTGCTCT TTACTTGGC TTTCACCTCA ATGACCAAAA TTATCTCTG
721 ATGAGATAG AGAGTCTGCA AGGGCTGG AGAGGAGTGC GCTCTCTCTC ACATAGAG
781 BAACTGAATC TTGACAGAGT TGCTTGAGA ATTTGGACAC AGAGAAGAGT TGCTCTCTC
841 ATCTTACACA ACATCTGCTCT ATGAGAGAG GAAACACCA CGATCTGAGA AGCTCTCTC
901 TCTCTCTC TGAGAGCTG AATTCCTACAG TGATGATACAT AGCTAAAGTA TTATCTCTG
961 AGTTTCTG TGAGAGCTG AGCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
1021 TGTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
1441 TGAGCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
1501 TGTAGTCTACT ATTCAGARCA AGCCCTTGG AGTTGTTCTG ACTTCCACGGG AGAGTCTGG
1561 CCAGCTTCTA TTCCCTCTCT AAGGGCTATT ATCAATGCCA ACATACACAT TTGTTGTTCA AGCTCTCTC
1621 CTATCTCTCT TTCCCTCTCT AAGGGCTATT ATCAATGCCA ACATACACAT TTGTTGTTCA AGCTCTCTC
1741 CATATTTTCTC TTCAAGAGAG AGAGAGAGAG AGAGAGAGAG AGAGAGAGAG AGAGAGAGAG

SEQ. ID. NO. 206

1 MHQKSYEF SYYFLAVLF LLPLILVKYFF HRRNLPPSP FSLPIIIGHY LLKLTLMHIL
61 TSLSKYGFV LYKLKGMPV IVVSPSPAE ECLTNDLIF AWRKTYVAGD KFTYNTYTYV
121 WAFYQOLNII LRLRIVVLF SSSLQNLTSI LRQDEVAFLI RSLYKFSKDS SKKVDLWWS
181 FTLEVNLMTK IIAHRIVLVE EDAKEKGIE LIEKNTL VTEFLNMC FLPLWVY
241 KGLEKFLKQH HNPRLPLMS DEDFPLKQH DEDFPLKQH DEDFPLKQH DEDFPLKQH
301 HNPLKQH DEDFPLKQH DEDFPLKQH DEDFPLKQH DEDFPLKQH DEDFPLKQH
361 SDANLKVLYH CVNWTMPLYI TPLILPLH SYKUICVVEY DVEKHMLFV NAWHRRDPK
421 VWEEDPKFPL ERPEATGEI ERPNYKLVNP FNGGRACCPGA DMLGRASVLA LGALIQCFW
481 QIEPRESLEE SYNSRMTQH KELKVVCTP RDLGLLQL

【図102】

FIG. 102

NAME D207-AA5
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 206

1 AACCAACCTT CCTTTCTTA CCTAGTAAAGA TTGGATATCA CCTCTCTCTC TTCACTCTA
61 TTGGCTTGTG ACTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
121 TCCCAAAGT AGCTCTCTC CCTACACCCAT CCTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
181 AAGGTAACAT CCTACACCCAT CCTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
241 ATTCTACACT TGAGAGCTG CCTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
301 TGTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
361 TGTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
421 GTAAATATC CAAAGGAAGT CCTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
481 AACAGGATG GCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATCT CCTCTCTCTC TTCTCTCTC
541 TGACATATAA CGAAAGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATCT CCTCTCTCTC
601 GAAAGATAG CGATCTGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATCT CCTCTCTCTC
661 ATGAGATAG CGATCTGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATCT CCTCTCTCTC
721 ATGATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG
781 TCAATGAGCA CAAAGAGATG CGATCTGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATGC
841 ATGAGATAGT TGATGCTTAA CTGAGGTTA AGGGAGATAA TGAGGAGATAA TGAGGAGATAA
901 AAATGAGCA CAAAGAGATG CGATCTGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATGC
961 ATACTGCTA TTATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG
1021 TGTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
1441 ATGAGATAG CGATCTGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATGC
1501 ATGAGATAG CGATCTGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATGC
1561 ATGAGATAG CGATCTGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATGC
1621 TTATATAGT ATGAGGTTG TGAGGTTG TGAGGTTG TGAGGTTG TGAGGTTG
1681 CTATATAAC CAGTGGAGCT TTATATAGT TTATATAGT TTATATAGT TTATATAGT TTATATAGT
1741 CATATTTTCTC TTCAAGAGAG AGAGAGAGAG AGAGAGAGAG AGAGAGAGAG AGAGAGAGAG

SEQ. ID. NO. 204

1 MDQSSPFN IALLLIFSL FILLKWNWTK IPKLPPGFWR LPLIGSLHHL KGKLPNHHHL
61 DLARKYGFV YLQGEVPPV VISSPRIKA VLTHTDLPFA TRPREMSDI VFKYSPRDF
121 TSCMCTRALF RKLITQELI SMMFLFSPV SMMFLFSPV SMMFLFSPV SMMFLFSPV
181 TSCMCTRALF RKLITQELI SMMFLFSPV SMMFLFSPV SMMFLFSPV SMMFLFSPV
241 DLFLAGETTS YTAIWLSE LMKHPSPVMAK AQAEVRVKFK ENENLDENDL DLKLPYKSVI
301 DLFLAGETTS YTAIWLSE LMKHPSPVMAK AQAEVRVKFK ENENLDENDL DLKLPYKSVI
361 KETLRMHPFV PLLGPRECRE QTEIDGYTV LKARVMVNAW AIGRPESWE DESESKPERF
421 ENISVDLTGN HYQFIPFGSG RRMCPGMSFG LVNTGHPFLAQ LLYLFWDKFP HKVNAADFHT
481 TETSRVFAAS KDDLYLIPN HMEQE

【図103】

FIG. 103

NAME D207-AB4
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 206

1 AACCAACCTT CCTTTCTTA CCTAGTAAAGA TTGGATATCA CCTCTCTCTC TTCACTCTA
61 TTGGCTTGTG ACTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
121 TCCCAAAGT AGCTCTCTC CCTACACCCAT CCTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
181 AAGGTAACAT CCTACACCCAT CCTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
241 ATTCTACACT TGAGAGCTG CCTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
301 TGTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
361 TGTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
421 GTAAATATC CAAAGGAAGT CCTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
481 AACAGGATG GCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATCT CCTCTCTCTC TTCTCTCTC
541 TGACATATAA CGAAAGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATCT CCTCTCTCTC
601 GAAAGATAG CGATCTGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATCT CCTCTCTCTC
661 ATGAGATAG CGATCTGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATCT CCTCTCTCTC
721 ATGATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG
781 TCAATGAGCA CAAAGAGATG CGATCTGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATGC
841 ATGAGATAGT TGATGCTTAA CTGAGGTTA AGGGAGATAA TGAGGAGATAA TGAGGAGATAA
901 AAATGAGCA CAAAGAGATG CGATCTGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATGC
961 ATACTGCTA TTATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG
1021 TGTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
1441 ATGAGATAG CGATCTGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATGC
1501 ATGAGATAG CGATCTGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATGC
1561 ATGAGATAG CGATCTGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATGC
1621 TTATATAGT ATGAGGTTG TGAGGTTG TGAGGTTG TGAGGTTG TGAGGTTG
1681 CTATATAAC CAGTGGAGCT TTATATAGT TTATATAGT TTATATAGT TTATATAGT TTATATAGT
1741 CATATTTTCTC TTCAAGAGAG AGAGAGAGAG AGAGAGAGAG AGAGAGAGAG AGAGAGAGAG

SEQ. ID. NO. 206

1 MDQSSPFN IALLLIFSL FILLKWNWTK IPKLPPGFWR LPLIGSLHHL KGKLPNHHHL
61 DLARKYGFV YLQGEVPPV VISSPRIKA VLTHTDLPFA TRPREMSDI VFKYSPRDF
121 TSCMCTRALF RKLITQELI SMMFLFSPV SMMFLFSPV SMMFLFSPV SMMFLFSPV
181 TSCMCTRALF RKLITQELI SMMFLFSPV SMMFLFSPV SMMFLFSPV SMMFLFSPV
241 DLFLAGETTS YTAIWLSE LMKHPSPVMAK AQAEVRVKFK ENENLDENDL DLKLPYKSVI
301 DLFLAGETTS YTAIWLSE LMKHPSPVMAK AQAEVRVKFK ENENLDENDL DLKLPYKSVI
361 KETLRMHPFV PLLGPRECRE QTEIDGYTV LKARVMVNAW AIGRPESWE DESESKPERF
421 ENISVDLTGN HYQFIPFGSG RRMCPGMSFG LVNTGHPFLAQ LLYLFWDKFP HKVNAADFHT
481 TETSRVFAAS KDDLYLIPN HMEQE

【図104】

FIG. 104

NAME D207-AC4
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 204

1 AACCAACCTT CCTTTCTTA CCTAGTAAAGA TTGGATATCA CCTCTCTCTC TTCACTCTA
61 TTGGCTTGTG ACTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
121 TCCCAAAGT AGCTCTCTC CCTACACCCAT CCTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
181 AAGGTAACAT CCTACACCCAT CCTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
241 ATTCTACACT TGAGAGCTG CCTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
301 TGTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
361 TGTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
421 GTAAATATC CAAAGGAAGT CCTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
481 AACAGGATG GCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATCT CCTCTCTCTC TTCTCTCTC
541 TGACATATAA CGAAAGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATCT CCTCTCTCTC
601 GAAAGATAG CGATCTGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATCT CCTCTCTCTC
661 CAGGAGATG GATGTTGTT GATGTTGTT CCTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
721 ATGATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG
781 TCAATGAGCA CAAAGAGATG CGATCTGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATGC
841 ATGAGATAGT TGATGCTTAA CTGAGGTTA AGGGAGATAA TGAGGAGATAA TGAGGAGATAA
901 AAATGAGCA CAAAGAGATG CGATCTGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATGC
961 ATACTGCTA TTATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG AGATGAGAG
1021 TGTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
1441 ATGAGATAG CGATCTGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATGC
1501 ATGAGATAG CGATCTGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATGC
1561 ATGAGATAG CGATCTGCTG CCTCTCTCTC CGATCTGTT AGCAAGATGC
1621 TTATATAGT ATGAGGTTG TGAGGTTG TGAGGTTG TGAGGTTG TGAGGTTG
1681 CTATATAAC CAGTGGAGCT TTATATAGT TTATATAGT TTATATAGT TTATATAGT TTATATAGT
1741 CATATTTTCTC TTCAAGAGAG AGAGAGAGAG AGAGAGAGAG AGAGAGAGAG AGAGAGAGAG

SEQ. ID. NO. 208

1 MDQSSPFN IALLLIFSL FILLKWNWTK IPKLPPGFWR LPLIGSLHHL KGKLPNHHHL
61 DLARKYGFV YLQGEVPPV VISSPRIKA VLTHTDLPFA TRPREMSDI VFKYSPRDF
121 TSCMCTRALF RKLITQELI SMMFLFSPV SMMFLFSPV SMMFLFSPV SMMFLFSPV
181 TSCMCTRALF RKLITQELI SMMFLFSPV SMMFLFSPV SMMFLFSPV SMMFLFSPV
241 DLFLAGETTS YTAIWLSE LMKHPSPVMAK AQAEVRVKFK ENENLDENDL DLKLPYKSVI
301 DLFLAGETTS YTAIWLSE LMKHPSPVMAK AQAEVRVKFK ENENLDENDL DLKLPYKSVI
361 KETLRMHPFV PLLGPRECRE QTEIDGYTV LKARVMVNAW AIGRPESWE DESESKPERF
421 ENISVDLTGN HYQFIPFGSG RRMCPGMSFG LVNTGHPFLAQ LLYLFWDKFP HKVNAADFHT
481 TETSRVFAAS KDDLYLIPN HMEQE

【 义 1 0 5 】

FIG. 105

NAME	D203-A10
ORGANISM	NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO.	1
1	ATATGCACT GAGATTGGA GAAACGCGC TACCCAAAC GGGGTTCTT AGCGCTTGGT
61	CCATTTCTT ATTCCTTCTT TCTCTTCTT TGTATGGGT ATGGGAGACG TCCAAAGGCC
124	ATGTTGCTT GATGTTGTT GAACTGGCA ACCTACCCAA TACTCTTCACT ATCTGGAGT
181	TGGCGGCG AACTACCAAC CACCTCTTCA GAGATTTCAAC TACCTTCTTAA GGGCCACTTA
241	TGCTACCTT ATTTGGTGG TGTCTGGG TGTGTTGGTC TTCTCTCTGAT AGGGCCGAA
301	ATGTTAAAT AATCTTCAAC ATGGCTTGG CTTCTTACGG TACCTTCTTCTT CCGGGGAGA
361	TTCCTGTTA GATGGCTCTT GATGGCTACCTT TTGGCTCTT TGGCTCTT GGGGCTCTT
421	TGGCAATTA ATGCTCTCA GATGGCTCTT GATGGCTACCTT TTGGCTCTT TGGCTCTT
481	ATGTTGCTT GATGTTGTT GAACTGGCA ACCTACCAAC CACCTCTTCA GAGATTTCAAC
541	TTATGTTG GGAAGGAGTC TTCTTCTTCAAC GAGCTTCTG GAGGATTTGA TCGAGGTTG
601	GGCGATTT GATGTTGTT GAACTGGCA ACCTACCAAC TACCTCTTCA GAGATTTCAAC
661	CAGGGGTT GATGTTGCTT GAACTGGCA ACCTACCAAC TTCTCTTCA GAGATTTCAAC
721	GTATGTTG GATGTTGCTT GAACTGGCA ACCTACCAAC TTCTCTTCA GAGATTTCAAC
781	ATGTTGCTT GATGTTGCTT GAACTGGCA ACCTACCAAC TTCTCTTCA GAGATTTCAAC
841	ATTTATGTA CTCTCTCTTA AGATGTTCA ATGAGGAGG GCTTCATTTCTT GGGAGCTTA
901	ACGACCATTA CAATGCTTAA ATTGTGAGA TTGGTGGCTT CGGGAGCTTA ACTTCTGGCA
961	CAACATCTT TTGGGGCTT TGAGTAAAGA TGAAGAAAGA AGGGCTTATG GCGGAGACCT
1021	AACGAGCTT GAAAGGAGCA TAACTTCTTCA GATGGCTCTT GATGGCTCTT GGGGCTCTT
1081	AGCTTCTTCTT GATGTTGCTT GAACTGGCA ACCTACCAAC TTCTCTTCA GAGATTTCAAC
1141	ATGTTGCTT GATGTTGCTT GAACTGGCA ACCTACCAAC TTCTCTTCA GAGATTTCAAC
1201	AGCAGACATTG CTGGTTTAAT TTTGGGGCTT TGGGAGAGA TCCAAATTTA GATTTGAGAC
1261	CAGACATTCTT TATGGGGCTT GAGTTTCTG AGCTGTCCTA GATTTTGTGTT GTTATTAAT
1321	TTGATGTT GTCCTTCTT GGGGGAGAG GGGGGAGAG GGGGGAGAG GGGGGAGAG
1381	CTATCTGTT TTGGCTCTT GCTCTTCTT GGGGGAGAG GGGGGAGAG GGGGGAGAG
1441	GTATGTTG GATGTTGCTT GAACTGGCA ACCTACCAAC TTCTCTTCA GAGATTTCAAC
1501	ATGTTGCTT CTGGGGCTT GCTCTTCTT GGGGGAGAG GGGGGAGAG GGGGGAGAG
1561	AGTTTCTT TCTCTTCAAC CACCTCTTCA GCTCTCTTCTT GCTCTCTTCTT TTGGGGTTT
1621	TACCTTCTT ACTATGCTG TCTTCTTCTT TATGGAGG TACCTTCTTCA GAGATTTCAAC
1681	TACCTTCTT ACTATGCTG TCTTCTTCTT TATGGAGG TACCTTCTTCA GAGATTTCAAC

SEQ. ID. NO. 210
 1 MQLRFLRQYQH TMCQFPLS VLS KTFIPLSFV LKTHNNSQD SKGLKPLVQD LPLBLQSLM
 61 VGGGLLPLP DPAAGTQVQD LBLDGLSVPW VVPSDPEAD VTKLHDVNA SPSPSLAPEI
 121 VVPLDPLA PZCPYDWRM PZCIVLZLWV AXVNTFSSV1 NRHLVNLAD FRRFSSEGP
 183 NYTFLERPLS SMTCSRASVY QVPGKDFQES LQKLVVLLA GHDVADP1FV1 SFLPKLWLVLG
 243 MKGKJCMNHN KVQDVALENNV1 NTHKWNMLAE KNGGALGE LDPVLLVWVQD
 301 DNIKAIALLP FVAGTETVNN1 NTHKWNMLAE FVQKAFQKQD LDDGQFPTIN
 369 LPLVWVQD LDPVLLVWVQD NTHKWNMLAE FVQKAFQKQD LDDGQFPTIN
 423 TETMFERPQD CSKPFGVNN1 EYLPGFQKQD CIGPSG1H NAYLPLFQQL YHFDFWKWLEAG
 483 IPESSLDDLE LVGTVAAKRS DLYLWVATP PPKQ

【 図 1 0 6 】

FIG. 106

NAME : 2000-AR12
ORGANISM : NIETZSCHEA TABACUM
SEQ. ID. NO. : 1
1 ATATGCACT GATGATGGA GATATCCGAC TAACCCAA GCGATCTTC AGCTGGTT
61 CCAATTCTT ATTTCATCTT TTCTCTTTG TGTTAAGGT ATGGAGACG TCCATGCG
121 AAAAGGAAAGA GTTGCACCA GGGTCATCA GAACTTCAAGCT ACTAGGAGAT ACTGCTTCA
181 TGGTGTGTC ATTACACACG GATGGCTCA GATGGCTCA GATGGCTCA GATGGCTCA
241 TAATGCTTCTT GATGATGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT
301 ATGGATCTT ATGGATCTT GATGATGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT
361 TTGTTGTA CATTAGCTC GATCTGAGCC TTGGCCCAAA TGCCGACTAT TGAGGACAA
421 TGGCTGATTA ATGCTGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT
481 TTAGGGGAA TGAACTCTC GTCGATCATTA ATTTCATC GCGATCTTC GGGAGCTCA
541 TTATGATG GAAATGATC TTTCATC GATGATGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT
601 GATGATGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT
661 CGGGGGGG TGATGCTCT GATGATGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT
721 GATGATGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT
781 TCACTGAA CGAAAGAACAT TTGCAATC GAAAGAACAT TGAGGACAA TGAGGACAA
841 ATTAATGTA TGCTTCTTCA AGATGATCA AGATGATGAGG CTCCTTCA AGATGATCA
901 GCGACCATC CAAGACCGCA ATTTCATC GATGATGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT
961 GATGATGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT
1021 AAAGCAAG AGGTAGGAGCA TTAGTGGAGA GAAAGAACAT CGTATGAAAT GATGATGCTT
1081 AACCTAACT CCTAAAGTTA STTAAATCA AACATCTTCAG ATCTTCATCA GCGCTTCAC
1141 TTTCCTCCCG AGAACAGATG AGGGAGATG GAAATATAGA CGCTGATCA TTTCCTCCCG
1201 AGAACGATC GATGGTTTAT GATGGCTTAT GATGGCTTAT GATGGCTTAT
1261 GATGATGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT
1321 GATGATGCTT TTGGCTTAT GATGGCTTAT GATGGCTTAT GATGGCTTAT
1381 CTATGATCA TTGGCTTAT GATGGCTTAT GATGGCTTAT GATGGCTTAT
1441 GATGATGAC GAGGACCTG GATCTTCAAGCT AGTGGTGTG AGATGATGCG GATGAAAGAA
1501 GCGACCTTC CTGGTGTGCT ACTCTTCAAGCT AACCTTCAGA AAAGTGGTCA
1561 AGTTGTTTCTT TCTGAGGAA CGGCACTAT GCGCTACAT TCTTGTGCT TTGCTGGTT
1621 TAATGCTCTT GATGATGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT GATGATGCTT

```

SEQ. ID. NO. 120
1 MCGEYBZGL PRMGESPLSVAE KFPLSFLPL LRKHNNSQG SKLPLGKPLA
61 KPLGKPLA LKLLAKCYYKPL GEYHGSVAV VVPTSDPTEK VHLKHDIAA SPKSLPAP
121 VCNNSLDPAR CPYGDYVWQKPL RKCIVLWPLS AVKNTPTSSA RNRVLEHLN FIRSSGSEI
181 NVTERIFPL SSNTCRSAGF QVEKQRFKPL QKLVKEVLL GFGWDVADP FIRLHNLVLS
241 MKGKPLA VVYKPL VVYKPL VVYKPL VVYKPL VVYKPL VVYKPL VVYKPL VVYKPL
301 DPLKPL VVYKPL VVYKPL VVYKPL VVYKPL VVYKPL VVYKPL VVYKPL VVYKPL
361 LNYLWJLXKE THRLPPLVWV LPLKRCRPEE NTTGIVTPQK ENPFAVWPKQ AERWAFRKGK EFTDENDVNE
421 EFTMRPEFQ KSCGKPLVNS ELYFEGSKR ICIGFSFGA NAYLPLAQI YHDFWKLPLAG
481 IESPLKPL EYVEPAKRSV DLYDVAQTYPK PQPK

```

【 四 1 0 7 】

FIG. 107

【 図 1 0 8 】

FIG. 108

NAME	D878- AF3
ORGANISM	NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID.	NO. 215
1	GAATGGGGAA ATCTCTACAA CAGGAAATTG CGGCAAGAUC GTTGTGATAT TTCTTGTTGTA
61	TATAAGCTG GGGAAATGTTT TGGATGCGA TGGATGATG CAAAGGAACT GTGAGGATTCG TTATGAGAA
121	CTTCAGGCTG GGGAAATGTTT TGGATGCGA TGGATGATG CAAAGGAACT GTGAGGATTCG TTATGAGAA
134	CTTCAGGCTG GGGAAATGTTT TGGATGCGA TGGATGATG CAAAGGAACT GTGAGGATTCG TTATGAGAA
241	GCCCCGAGAA TCTATCTTCA TTTATCTTGA ATTCATCCAA AGGCCCTCA TGTCTGTCAT AATAGGATGTA
301	GGTTGGGAAAG GACCCACCC GCGGATTAAT ATAACAGAC GAGCAATTAT AAAGAGGATTA
361	TTTTGGTAAAG ATCTAGTTTT GAGGAGCTTC ATATATCCCGG GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC
421	GTCTGGCGG TTGATGAGT GCGAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC
481	CGCTGGCGG TTGATGAGT GCGAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC
541	ATGAGGAGCTTC AAGAAGCTGC GGGATGTTCT CGGATGAACT GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC
601	TTGGCTCTTGCTC TTCAAGAGAT GAGGAGCTTC GGGATTTCTC GTGCTGCTCT TTGGTGTAGCT
661	TAGGAGAGAC GAGGAGAGT ATTTAGGAT GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC
721	ACATTTCTT CAGTCTTAT GCGGAGGAT GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC
781	ATGAGGAGCTTC GGGATGTTCT CGGATGAACT GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC
841	ATGGCGGCTG GGGAAATGTTT TGGATGCGA TGGATGATG CAAAGGAACT GTGAGGATTCG TTATGAGAA
901	CTTCATGATG CTATGAGAT GAGGAGCTTC GGGATGTTCT CGGATGAACT GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC
961	GAATGGGGAA ATAGGATGCA ATTATTCCTT TTCTGGTGGCC AGGAGGATTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC
1021	CTCTGGTGGG CACTGATTTG TTGGTGGGGAC ATTCAGCAAC CGGAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC
1081	GAATGGGGTTT AAGCTCTTGG ATCTGATTTG GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC
1141	ATTTGGACG GGGAAATGTTT TGGATGCGA TGGATGATG CAAAGGAACT GTGAGGATTCG TTATGAGAA
1201	CTTCATGATG CTATGAGAT GAGGAGCTTC GGGATGTTCT CGGATGAACT GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC
1261	TTGGATGACCA TCTATCTTCA ATCTATCTGC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC
1321	TTTCATCGGG CGGGATTTGG CGGAAAGGGT GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC
1381	TTCCCTATTT GTGCGGAGAC GGGAAATGTT ATTCAGGCTTA AGTGGCGCTTA ACTTGGCGCTTA TTCTGGCTCT
1441	AAATGGCTTG TGCATGAGT TCTACACAC TCTTCCTCTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC
1501	CTGGCTGCTG CACTGCTTG GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC GAGGAGCTTC
1661	AGGCTGTAGG CTGGTGGGAA

【図 109】

【 図 1 1 0 】

FIG. 109

SEQ. ID. NO. 218

FIG. 119

SEQ. ID. NO. 220
1 MEPEYSLKII PAPEPALLIV LRWPKWMLKINY VWLKPKELEK YLQRQGFKGNK SYKFLKGDMK
61 ETRKMGKEM SKPIMFSHDM IMPWPFMHDW KITIYNGKNC IWTFEGPKWLT LTIDPEVNP
121 VZKPNFVYQK PLPMLKPLA AGLACIGYED KWAHTRNLK MFLPDLKJLKH MPAQPFATAS
181 EMLSKELKVV PSEGTEIDW PYLQIOTSLA ISRTAFQGSSY EKGFLKFDIQ KQFCLLISLLE
241 SRTIYVWGHW PLFTRKRNKM KQFKEWRAV VEGIJKRNK MIEENGAPD LIGLJLNLASH
301 KEIQGHHNNK KFGMSIDEVW QETTSILWV TMHJYKJN WDKPAREVW
361 QVPGVWVW DKLNQKLVIT MEISNLKFLYVW PAQVWVNRN KNEKTGLGNIC QWQDQVWLP
361 QVPGVWVW DKLNQKLVIT MEISNLKFLYVW PAQVWVNRN KNEKTGLGNIC QWQDQVWLP

【 図 1 1 1 】

【 図 1 1 2 】

FIG. 11

SEQ. ID. NO. 2

FIG. 112

NAME D209-AD9
 ORGANISM NICOTIANA TABACUM
 SEQ. ID. NO. 223

1	ATCTGTTCTC	CCATAGAAGC	CAATTGATGGA	CTATGAACTC	TGCAATTCTC	CTTCATGTTCT
61	CTATGAGACA	AAAATCTTC	AAAACCTTC	AAACCCCTAC	CAGCCGGG	CCCGCGGAG
121	TGGCCCTAAT	TGCGGCCATC	TTTCGGG	ATGAGGACG	GGCGAGCAGC	CTTCATGAGC
181	CGAACTACG	GAGACTTACG	TGAACTACAT	GGCCCGGCTT	TCATTTCTC	CTGAGGATC
241	ATGATGTTG	TAGGATGTTG	ATGTTGTTG	ACCTTCTT	ACCTTCTT	CGAATGATC
301	CCGCTTCTTC	ATGCTTCTT	TCGCGCTT	ACGCTT	ACGCTT	ACGCTT
361	ATGCTTCTT	TGGCCATTC	CGGCGGATC	TGGCCGAAATT	ATCGAAATT	ATGTTCTT
421	GAATGTTTC	CCGGCTTC	TCTCGAAAAN	TTCAACACG	ATGGATTTGC	AGAATTGTC
481	GGCGAGCA	AGAATTGTTA	TACTGCTA	GTATGGGG	CGATGACAT	AAATTTCCTG
541	GATGTTGG	AGAATTGTTA	TTTGGGTC	CTGTCGGA	AGAATTCG	AAAAAATTA
601	GAATCGCTTA	AGAATTGTTA	ACAGCTGG	AGAATTGTTA	AGCGCTTAA	TTTGGGTC
661	GTATGTTG	AGAATTGTTA	TTTGGGTC	CTGTCGGA	AGAATTCG	AAAAAATTA
721	GATCTGAG	AGAATTGTTA	GGCTGATG	AGAATTGTTA	AGCTTACG	TTTGGGTC
781	CGATGAGT	TAGAACGAA	TATTTAGA	GGAGAAAAAA	TTGGAGGTGA	TCGAGGAGG
841	ATAAGACAA	ATTCTGATCA	TTGGCTGT	TCCTAAAGA	GTATGAA	CTTCGGGAT
901	GGTGCTTC	GTGATGATC	CAATTGAA	ACCGTTGTTA	TTGGTTGTC	TCGAGGAGG
961	GACACAGTC	CTTCTTCAGA	ATAATGGGA	ATGGCTCAT	TGATGAA	TCAGACGGG
1021	TTGGACGG	CACTGGGAA	GGAGGACAA	ACAGGACAA	AGGAGGAC	TCAGACGGG
1081	CTTCTTCAGA	ATAATGGGA	ATGGCTCAT	TTGGACGG	TCAGACGGG	TCAGACGGG
1141	CCACCAAGG	CTTCTTCAGA	ACACCGAA	ATGGTAGAG	ATTTGTTGT	TCAGACGGG
1201	CACTGGCTA	AGGGACGAA	ATTATTCGAA	ACAGTCATG	AACTGACAG	TCAGACGGG
1261	CTTCTTCAGA	ATCTGATAC	TTCTGATCA	GGAGGATCA	TTCTGACTG	TCAGACGGG
1321	CGTTGTCGAT	ACTATAGAA	TAATCCCGTT	GGTCTGCA	GAGGACTTGC	TCAGACGGG
1381	ACTATGCGAT	AGGATGTTGA	ACGTTAAC	TAACAGGAT	TCGGTCAAG	TCAGACGGG
1441	AGATGTTGA	ATGAGGCTG	CTTGGTCAAG	AGGAGGAT	GGGGTAA	TCAGACGGG
1501	ATGAGGCTG	TCGAGGATG	ATGAGGCT	GGGGTAA	TCAGACGGG	TCAGACGGG
1561	ATGAGGCTG	TCGAGGATG	ATGAGGCT	GGGGTAA	TCAGACGGG	TCAGACGGG

SEARCHED

```

SEQ. ID. 1
1 MSLSEIAVE
10 ATGTTFLVFL
19 LMTKNSQKPCGK
28 HLPKPLKIGG
37 PWPVQHGLP
46 KQDQGKQVFL
55 KQDQGKQVFL
64 KLGQDQKQVFL
73 GPVTFPLRGL
82 PMLVNSVYK
91 AWPQDCTSD
100 AIFSHRDFL
109 KQDQGKQVFL
118 LMLTANQYGP
127 WRNWRKUQV
136 EYLASLRLTQ
145 EFKURFARQ
154 ASMKHLYTR
163 DQHMLVQV
172 DQHMLVQV
181 DLWZLMLQVFL
190 LIVZMLAGRN
199 EKGSCDQE
208 PFKAKFWD
217 PEFVFLWID
226 PEFVFLWID
235 PEFVFLWID
244 DQHMLVQV
253 DQHMLVQV
262 DQHMLVQV
271 DQHMLVQV
280 DQHMLVQV
289 DQHMLVQV
298 DQHMLVQV
307 GYSRDTVAA
316 TVEFLSLLDA
325 DTALVHNGH
334 MALLINQNA
343 ITRAGEEIDT
352 KVCVRDQD
361 KVCVRDQD
370 KVCVRDQD
379 KVCVRDQD
388 KVCVRDQD
397 KVCVRDQD
406 KVCVRDQD
415 KVCVRDQD
424 KVCVRDQD
433 KVCVRDQD
442 KVCVRDQD
451 KVCVRDQD
460 KVCVRDQD
469 KVCVRDQD
478 KVCVRDQD
487 KVCVRDQD
496 KVCVRDQD
505 KVCVRDQD
514 KVCVRDQD
523 KVCVRDQD
532 KVCVRDQD
541 KVCVRDQD
550 KVCVRDQD
559 KVCVRDQD
568 KVCVRDQD
577 KVCVRDQD
586 KVCVRDQD
595 KVCVRDQD
604 KVCVRDQD
613 KVCVRDQD
622 KVCVRDQD
631 KVCVRDQD
640 KVCVRDQD
649 KVCVRDQD
658 KVCVRDQD
667 KVCVRDQD
676 KVCVRDQD
685 KVCVRDQD
694 KVCVRDQD
703 KVCVRDQD
712 KVCVRDQD
721 KVCVRDQD
730 KVCVRDQD
739 KVCVRDQD
748 KVCVRDQD
757 KVCVRDQD
766 KVCVRDQD
775 KVCVRDQD
784 KVCVRDQD
793 KVCVRDQD
802 KVCVRDQD
811 KVCVRDQD
820 KVCVRDQD
829 KVCVRDQD
838 KVCVRDQD
847 KVCVRDQD
856 KVCVRDQD
865 KVCVRDQD
874 KVCVRDQD
883 KVCVRDQD
892 KVCVRDQD
901 KVCVRDQD
910 KVCVRDQD
919 KVCVRDQD
928 KVCVRDQD
937 KVCVRDQD
946 KVCVRDQD
955 KVCVRDQD
964 KVCVRDQD
973 KVCVRDQD
982 KVCVRDQD
991 KVCVRDQD
1000 KVCVRDQD

```

【図113】

FIG. 113

NAME D237-AD1
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 225

1 TTTTGTATAC CTTTGTGACT CTTTGTGATT TCTAATATG CTTTGTGACT TCTTGTGCGAT
61 AGAGGCGGAT TCTTGTGACT TCTTGTGACT TCTTGTGCGAT GCGGCGGAAA
121 AACATCAAAA ATCTTAAACG CACTACCTTC GAAATATCCC GCTGGATGCGC CACTATGCGC
181 CCATCTCTTT TATTCAGAGA AACATGGCGA TGAGGATGCGC CATTTCCTTC AAAAACATGG
241 TGACTTAGCT GACAAATATA GTCCCGTCT CACTTTCGCG TGAGGTTTC GCGGTTTCTT
301 GGGGGTGAG AGTTATGAGA CTATGAGAGA ATGCTTCAAC ACCAAATGATA TCCATTTGCG
361 GGGGGTGAG AGTTATGAGA CTATGAGAGA ATGCTTCAAC ACCAAATGATA TCCATTTGCG
421 TGGCAAAATG TGGCGGTTACG TGGAAAAAAG GAAATGGCGA GGGGGTGGCG
481 CGTTGAGTGG CGTGGAAATG TCAAAAGATG TAGATTTCTC ATAATTCAGA AAATTCAGA
541 AACATTGCTAT ATTGTGATT CACCAAGGGT GAGAGTAAC CTAGGAGATG GGAGAGATGA
601 ATTGAGATGAT ATTGTGATT TGTGGGGAGG ATCTATTTATA ATGGAGATTA
661 AGAAATACTC AACAGCATTT TGAGAATATG CATGGTTCAG CTTGAGGATG TGGAGCTCTA
721 AGAAATACTC AACAGCATTT TGAGAATATG CATGGTTCAG CTTGAGGATG TGGAGCTCTA
781 GAAAGAACAT TCTGAGAGA TCTTGTGCGA TCTTGTGCGA TCTTGTGCGA
841 GAAAGAGAGA ACAGGAGATG TGGAGGAGA AAGAACACA GATTTTGAGA ATGCTGCG
901 TTCCAGAGATG TCTTGTGCGA GGGTTACTCT CAGTACACAA CCATCAAAGC
961 AACATGCTTTC ACTTTGGCTC AGGAAGCAGC AGAACACATC GCACTTCTA TAAATGGGT
102 AACATGCTTTC ACTTTGGCTC AGGAAGCAGC AGAACACATC GCACTTCTA TAAATGGGT
1081 AACATGCTTTC ACTTTGGCTC AGGAAGCAGC AGAACACATC GCACTTCTA TAAATGGGT
1141 AGCAATGTCG AAAAGAGATG TGGAGATGAGA TGGAGATGAGA TGGAGATGAGA
1201 ATCTGAGATA ATTGTGATT TCAATGGGTA CTATTTCTC AAGGGGAGCTG CACTACTTAC
1261 CARTATTATG AACATACAGC GAGATCTCTA AACATGGCGA ATCTCTATA AATTCGATCC
1321 AGAGGAGATG CTGAGGAGCT ATGCTTACTAT TGACTTACCG GGGAGGAGCT ATGAGTGGAT
1381 CCGCTTGTG AGCGGGAGAC GAGCTTGTGCG CGGGATGAGA TATTCTATTC AGTGGAGACA
1441 CGGGATGAGA TGGAGATGAGA TGGAGATGAGA TGGAGATGAGA TGGAGATGAGA
1501 GGATATGAGA CGAGGTGCG GGTACTTACTTAC ACCAGAGAGA ATGAGGCTT
1561 TACACCTCGG CTTCCTCTCA CGCTTATCA AATTTATGAGT TTTTGTGTT CGGGAGTGT
1621 TCTGAGTCACT CCCTCAGT

SEQ. ID. NO. 226

1 MYYLSSIEA IGGFTTFSSEI PYFLWTTKOG KILNPLPPI PGGWVIGHL FIFRNNGDDEO
61 RHFSQKLGLD ADKYGPVTFT RLGFRRELAV SZEYAMKEF TTDHNDLWV PELLINGVLEO
121 YNNMILAVAK YGPYNNKKMRK LVNQEVLVLS RLEKFKVURP SIQKHNKQL YNCDSPMVK
181 NILSWDIDKLT EDILILMNVG KYYNNNGHGEI LKVAFQKFMV QMEEMLYDV FHPFFFWMK
241 LYCHNGKQK TFKDINLIG QDDEHIIKKR ETKDVGGENM QDFIVDVLWSK MSDHELGGY
301 LKQHNGKQK TFKDINLIG QDDEHIIKKR ETKDVGGENM QDFIVDVLWSK MSDHELGGY
361 IKNLUVYLOA VKEVILRHHB APLSVKLYST VEVGNGHII FGKJALUHII MHLQDPOFV
421 PNPDKFDFER FLTHNTADYD PGSYHESTIF PGSYHACPM NISLQVEHLS DMMQIQLPSF
481 ATTNTNEPLDM KQGQVGLTLPK KTDVEVLITTF RLEPTLIVQ

【図114】

FIG. 114

NAME D125-AF11
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 227

1 CTTTTTTCTC CCAAAGAAAGA GCTCATTTCC CTTGTCCTCC AAAATGGGAT TCTCTTCTACT
61 AGAGAGAACCC TTAATTTGGTC TTCTCTTCTC CATTTTTAATC GCTATATTC TCTCTTCTACT
121 TCTGTCCTAGG CTTTTTACAGG ACCCACTTCA GCTACAGTTC TTGTTAATG
181 GCTTCAAGTG GGTGATGAGAG TAAATGGAG AATATGATCT GGTGATGAGA AATATGATCT
241 TGGTGGTTGG ACCATTTACAGG CTTTCTCTCA GGGGGATGAG TCAACCAACCC
301 AACAAATGAGA ATTTTACAGG CACAGGAGATG TGGAGATGAGA TGGAGATGAGA
361 AACAAATGAGA ATTTTACAGG CACAGGAGATG TGGAGATGAGA TGGAGATGAGA
421 AACAAATGAGA ATTTTACAGG CACAGGAGATG TGGAGATGAGA TGGAGATGAGA
481 TAGAGGGGGG TTGGGGTTGG AGTGGGCAAG TGATTTGGAG AATATGAGA AATATGAGA
541 ATCTGCTACT ATCTGCTACT ATCTGCTACT ATCTGCTACT ATCTGCTACT
601 AACATGCTTTC ATCTGCTACT ATCTGCTACT ATCTGCTACT ATCTGCTACT
661 TAAGGGGGGGG AAAGGTGAGT GGGCTAGAGT TTGAGGATGAG TTTAGGTTAG
721 TTTTATTCCTC ATTITGGAGC CTTTTTTGAG AGGGTTAGT AGAGATCTTA AAGAAGTTAA
781 GGGAGAGAGC CTGAGCTTCA TCAAGAGATTA CTTTGTGAGA GAGAGAAAGA AGCTTCAAA
841 TACCAAGAGC TGGAGAGAGC ATGCTGCTACT ATGCTGCTACT ATGCTGCTACT
901 AACAGAGAGC TGGAGAGAGC ATGCTGCTACT ATGCTGCTACT ATGCTGCTACT
961 AACAGAGAGC TGGAGAGAGC ATGCTGCTACT ATGCTGCTACT ATGCTGCTACT
1021 TCAATCCTCA AACAGAACCTC GGGGGGGGGG ATCTTCTCTA CTTTGTGAGA GAGAGCTTCA
1081 GACTCTTCA ATTAGGTGAGA GTTCTGCGG TTGTTGGTAC TTCTCTCTAT AGGGCAAAAG
1141 TCTCTCTCTC CAACTTCTCA TAAATGGCTC AACACATGAGC TTCTAGGAG AGAACCTTGG
1201 CGGGTTTTGTG ATTCAGGAG CGAGCAAAAT ATCTGTTAGC GCTTGTGAGC TACTCTACAA
1261 CCGGGCTCTC TGGAGAGAGC CGGGAGAGTT CTTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
1321 TGGAGAGAGC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
1381 TTGCCCCCGGA ATTATGCTCT CATTGCACTT TTCTGSCATT ACTTTGGGAC GTTGGGTGTC
1441 GACTTTGGC CTGTTGCTC CTGGAGGAGC GTGAGAGTC AGGACACCA AGGACACCA
1501 ACAGTTTCACT TTCCCAATTTC TGGAGGATTC CACCATTTG TTGAAACCA AGGCTTGTG
1561 AACTTTCTCA TCTCACTAA TTAAGGGGTT GAAAGAANTT TATAATTAG
1621 TCTGAGTCACT CCCTCAGT

SEQ. ID. NO. 228

1 MDLILLEKLTL IGLFLPAFILIA IIVSRLRSKPK FKLPPGPIPV FVFGNWLQVG DDLNHRNLTD
61 FAKKFGDGLP LEMQGNLIVV VSSPELAKEV LHTQVVEFGS RTNWNVDFD TGKGDMLVET
121 VYGBHEWHRM RIMVLPFFT VVSPVQYRGW EEEVAVSIED VKNPESATV GIVLRRRL
181 ICHGAGAGAGC GAGGAGAGAGC GAGGAGAGAGC GAGGAGAGAGC GAGGAGAGAGC
241 ICHGAGAGAGC GAGGAGAGAGC GAGGAGAGAGC GAGGAGAGAGC GAGGAGAGAGC
301 GAGGAGAGAGC GAGGAGAGAGC GAGGAGAGAGC GAGGAGAGAGC GAGGAGAGAGC
361 GAGGAGAGAGC GAGGAGAGAGC GAGGAGAGAGC GAGGAGAGAGC GAGGAGAGAGC
421 GAGGAGAGAGC GAGGAGAGAGC GAGGAGAGAGC GAGGAGAGAGC GAGGAGAGAGC
481 TEEGGGGGGD DAEGGGGGGG
541 TTATATGTCG GGAAGGGGGG TTCTTGCTCA CAGCTCTCTA GAAATGGGGGG
601 GCGCAAGTGT CAAAGGGCA GAAATTTA TAACTCTAT AATAGAGTG ATATCTCTAG
661 CAGGGGGGGG TTGAGCTGGCTC GACATATTCG TTCTACTGAG GTTCTCTCAT GGGCTGAGG
721 GAGGAGGGG GAGGAGGGG AATAGGATGAG AATAGGACACC AATAGGATGAG TGGCATTTG
781 GAGGAGGGG GAGGAGGGG AATAGGATGAG AATAGGACACC AATAGGATGAG TGGCATTTG
841 AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC
901 AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC
961 AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC
1021 AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC
1081 AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC
1141 AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC
1201 AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC
1261 AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC
1321 TTGAGAATCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
1381 CTATGCTCTA TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
1441 GATGAGAGAG AAGGGGAGCTG ACTCTGACTG AGTGTGTTG AGTGTGTTG AGTGTGTTG
1501 AACATGCTCTC AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT
1561 GTAGGGGGGG TATATGATTG GTTGTATCTAC TTGTAG

【図115】

FIG. 115

NAME D134-AB11
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 229

1 AACAAATAAA ATGGAGGAGAT TATTTCACAT CAAAGTGGCA GTTTCAGTAG TAAATGTTGAT
61 AATTTTCTG AGATGGGGAT GGGAAATCTT GAAATGGGTG TGGTGTCAAC CAAGAAATAT
121 GGAAATAAAATG CTAAAATGG AGGTGTTCA AGGAAGCTCA TAAAGCTAT TAAATGGAGA
181 TATGAAAGAG ATAAAATACAA TGTTGAGAG AGCCAAACCA ACCCTTCTATA ATTTTTACCA
241 TGATTTGTTG TGTGAGAGCT TGGCTGACTT CACAAAGTTG ATCTCTTCAAG ATGGCAAGAG
301 AACATGCTTTC AACAGGAGCT AACAGGAGCT AACAGGAGCT AACATGCTTTC AACATGCTTTC
361 GGGAGATCTC TCTTATGAGT AACATGCTTTC AACAGGAGCT AACATGCTTTC AACATGCTTTC
421 GCTGAGAGAGA AGTGTAGTAA GTTATGAGAG AAGAACATGAG TGGAGAGAG
481 CAATCTCTGA TTTCACCTTC AACAGTGTAA GCTATGAGTCA CTATGAGTTC ACTTGTAGTGG
541 TTGTTGAGATG CTCAGGAGAT GGGGAAGTAT AGCTTCTATC GAGGAGATCA ATGTTGAGCT
601 AACAGAGAGCT TGCAAGAGCT TGCTATCTCA AGAACAGCTT TTGTTGAGTAA
661 AACAGAGAGCT TGCAAGAGCT TGCTATCTCA AGAACAGCTT TTGTTGAGTAA
721 AGCAAGAGCA TGGCTTCTTAAC TCCCTGGGAG GAGCTTGTGCG CACATATGAG
781 GATGAGAGCA ATCTGCTTCA AGAACAGCTT ATTAGTGTGAG GAAATATGAGA ATGAGAGAT
841 GATGAGAGCA AGAACAGCTT AACAGTGTAA AGATGAGCTT GGGAGGAGCT TGGAGGAGTCA
901 TAAATTCCTA GAAATCTCAA GCAACAGCTT CCGGATGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT
961 GAGGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC
1021 AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC
1081 AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC
1141 AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC
1201 TGATGAGAGT GAGGAGAGCT TGGGGAGCTT STCATTTCTC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC
1261 AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC
1321 AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC
1381 AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC
1441 AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC
1501 AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC
1561 AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC
1621 AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC AACAGAGAGAGC

SEQ. ID. NO. 230

1 MELNPKKVA VSLIVVILIDV RNRKFLNWW WLQKPNKMEK RLAEEFKGGS VKEFLGEMKE
61 INTVVEEATK KWMFPTTAKK RBLPHFLKLL MLYQKHNNS WLQKPNKMEK IPEFLGEMKE
121 SKSYIYEIQI GNPITKLILQ GLVSYEABKX AKHRIKINPA EHLDKLHML PSYFLSCDM
181 LNRKWLSSAAS EGESEIDWVPP LETLTSDAIS RTAFGSNVED QKRIPELQKQ QAEELIQAAR
241 WLYIPGRVFT PTKRNNRMKQ IAKEVRSVSLI GIIKNIKIREM KAGEAKAFLD LQILLESNFK
301 AACATGCTTTC AACAGGAGCT AACAGGAGCT AACAGGAGCT AACATGCTTTC AACAGGAGCT
361 ECGNHCYDRA LNSLQVHDLW EKQVWVHDLW DLAQHNLSP AGIQLDVIPI
421 WLHHDNEIWF DDAKSEKPER FSEGWKAKT GKPAYFFPSW GPRICVGFLN AMLEAKWAL
481 LILQHYZAFAEL SPSEWHAHPT IITLQPNQH PIIILRKI

【図116】

FIG. 116

NAME D209-AH12
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 231

1 ATATGCTACT GAGCTTGTGA GAGTTCGAGC AACAAATAT GCGATCTTC AGCTTGGTT
61 AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT
121 AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT
181 TGGTGGTTGG ACCATACCAAC GAGGGCTCTA GAGGGTTTAC GAAATGGGGGG
241 TGGTGGTTGG ACCATACCAAC GAGGGCTCTA GAGGGTTTAC GAAATGGGGGG
301 AACATTAATAA AACACTGAGC ATCTCTTCTC TTCTCTCTG TAGCTCTTGT GGGCTCTGG
361 AACATTAATAA AACACTGAGC ATCTCTTCTC TTCTCTCTG TAGCTCTTGT GGGCTCTGG
421 TCTCTCTCTC AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT
481 TCTCTCTCTC AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT
541 TTATATGTCG GGAAGGGGGG TTCTTGCTCA CAGCTCTCTA GAAATGGGGGG
601 GCGCAAGTGT CAAAGGGCA GAAATTTA TAACTCTAT AATAGAGTG ATATCTCTAG
661 CAGGGGGGGG TTGAGCTGGCTC GACATATTCG TTCTACTGAG GTTCTCTCAT GGGCTGAGG
721 GAGGAGGGG GAGGAGGGG AATAGGATGAG AATAGGACACC AATAGGATGAG TGGCATTTG
781 GAGGAGGGG GAGGAGGGG AATAGGATGAG AATAGGACACC AATAGGATGAG TGGCATTTG
841 AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC
901 AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC
961 AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC
1021 AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC
1081 AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC
1141 AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC
1201 AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC
1261 AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC AACAGAGAGC
1321 TTGAGAATCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
1381 CTATGCTCTA TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC TTCTCTCTC
1441 GATGAGAGAG AAGGGGAGCTG ACTCTGACTG AGTGTGTTG AGTGTGTTG AGTGTGTTG
1501 AACATGCTCTC AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT
1561 AACATGCTCTC AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT
1621 AACATGCTCTC AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT

SEQ. ID. NO. 232

1 MGGKINNAAT KVDIAVENVI HENKHLAIC KTGALGSEED LIVLILVLEMM LPILGSMMLHM
61 AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT
121 AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT AACAGAGAGCT
181 VNTVERIFLFT SSMCPCRSQG QVKEZDKEFI QLXEVILLIA QGPDVADIPF SIKLHJGFG
241 MGGKINNAAT KVDIAVENVI HENKHLAIC KTGALGSEED LIVLILVLEMM LPILGSMMLHM
301 DNKIAIFIDM FAAGTETSSS TIWVAMVEMV MNPAVFAKQ AEVREAFRKZ ETIFDENDVE
361 ILYLNUVKEI TIRLHPEFLW LLFRECREET NINGYIIEVW TCKMVNWL GRDPKYNDA
421 ETMPEPERFQ CSRDFVQNF EYLPGGGRR ICFCGFSGLA NAYFLPLAQI YHFDWKLPG
481 IEFSDLQDLE LVGVTAHRS DLYLVATFQY FQPK

【図117】

FIG. 117

NAME D222-BB8
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 233

1 GAATTTATTC AGCTGTTGTA TTTCCTGCT ATGATAGAA GCTCGTTTAC TCAGCGGAGA
61 AACCCCAAT AAAAATGAA TTTCCTGTC GGTGTTGCTT CTCCTTCTT CTTTGGTC
121 CTATGAGGAG TAGCAAAAGC AGGAACTTC CTCCTTCTT CTTTGGTC
181 GGAACCTTC ATTAATGAG ADAAATGAG GGTGTTGCTT CTCCTTCTT CTTTGGTC
301 GACATTCGCC GAGAGAGCTT TAGACTAC GACCTTGTGTT TCTCAAGGCG
301 GACATTCGCC GAGAACTTT CTACAACTT CACAGCTT CATTGCA
421 TACTGGAGAG AGGCTCGAGA AATTCAGTG TTGGAGTTCG TAATGACAA GAGAGTACAA
481 AGTTTCGAGAG CAACTCGAGA CGTAACTT AGTACGGGTT CTCCTTCTT CTTTGGTC
541 AGATTCAC CTCCTGAGA CGTAACTT AGTACGGGTT CTCCTTCTT CTTTGGTC
541 AGATTCAC CTCCTGAGA CGTAACTT AGTACGGGTT CTCCTTCTT CTTTGGTC
661 AGTGGATTC TATATGAGC AGCAAGGATA TTGGTTGAGT TTAACTGTTG TGATATTGTT
721 CCTCGGGATC CATGTTGTTT CAAATAATGAG GGGTTTGGATG AACAGATTTGAA AATAAATTGTT
781 AGGGGATTTG ATAATGTTTA TGACAAAGTA ATAGAAGATC ATCTTAAATGAG ATGAGCTGCG
841 ATGAACACAA GGAGATGAGA AGAGCTGAG GATTTAGCTTC CTCCTTCTT CTTTGGTC
901 AGCTTCTTCTT TAAATGAGGAG GGTGTTGCTT CTCCTTCTT CTTTGGTC
101 GGGGGATGTC TAAATGAGCAG AGAACCTT CAAATGAGT TGCTGAGACT CATAAAATTA
1021 CCAAGAGTCT TGAGGAAAGC CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAAGAAAG
1081 CCAAGAGATAA GGAGGCTTCTT CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAAGAAAG
1141 AGACTACACC CACCGATCC CTTACTAGTC CGCCGGATTA CAAACGGCAG CTCGAAGAA
1201 ATGGGATAGC AAATTCAGT CAAATGAGA GTCTTCTTAC AGCCTGAGC AGAGCTGAG
1261 ATGGGATAGC AAATTCAGT CAAATGAGA GTCTTCTTAC AGCCTGAGC AGAGCTGAG
1281 CCAAGAGATAA GGAGGCTTCTT CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAAGAAAG
1381 CCAAGAGATAA ATTTTCAAT ACCACAGTTG GAGTCTGAG TGCTGAGACT ATGTTCTTAC
1441 TATAATTGCTG CACTCTGAGA AGGGAGCTGA GCTAAGGAG TGCTGAGACT AGAGCTTGG
1501 GGGATTACCA TGCAAGAGAA ATCTCCCTT TGCTGAGACT CTCTTCTTAA TACTTGTGAA
1561 GATTTTAAAGA GATTTTAAAGA TAGCTTATTA TGACTTGTGAG T

SEQ. ID. NO. 234

1 MUFIIVVLLAS FFLVFLMRS KAKKLPLPGR KLPPIIINRQH IGGKLPHRSQI KLSNEYGDFI
61 FFLQLSVFTV VVSSADIAI IFRPHDVLIS GRLPAAVAKR LSYNQYNSF VPGYHGYRER
121 RKLIVLLELS TWRKQSPEAI RDEEVSSIVL IIGSSLLSPV NISQYNSLA PLSQYRER
121 KGSAGENQDY EDRKNEELLY ETQHLEGFN VADQHNGFQV LQHNEHNGFQV LQHNEHNGFQV
241 FVQHHLVQH NSLQHHLVQH LQHNEHNGFQV LQHNEHNGFQV LQHNEHNGFQV
241 FVQHHLVQH NSLQHHLVQH LQHNEHNGFQV LQHNEHNGFQV LQHNEHNGFQV
361 VELLLPVRVTT ASCKIMEYEI PVNTVFEVA TANGTQVH ENPLFELPER FLOKEIDYRG
421 KNFLLPFGA GRGCGCPGINF SIEFLVELALA NLLPHYNWLS PEGMLAKDVL MEEALGITMH
481 KKSPLCLVNS HYTC

【図118】

FIG. 118

NAME D222-BH4
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 234

1 CAAAGACTAA AGAGCTTGG TCTTCTGGGT TATTTCTTC TTTTCCTTC TTTTGGTC
61 TTAACTTAACTA TATTTCTTC TATCAGAAAGT CAAAGAAAGT CTCCTGAGAT CTCCTGCTTAA
121 GCTTCGGTCA ATTCGGTCACT TCCACAAACT AGGCTTACAA CTCACCGGT CTCCTACAAAA
181 ATCTATCAAT AGAACATGTC CCATGATGAT GCTTCATTC CTCCTGCTTAA
241 CGCTTCATCA GCTGAAGCTG CTTCGGGAAAT CAAAGAAACC CAAAGATTCG CTCCTGCTTAA
301 CAAACCCATC TCAACCACTC CTAGCAAGTC TTCTCTGGC CAAAGAGAC CTCCTGCTTAA
361 CAAACCCATC TCAACCACTC CTAGCAAGTC TTCTCTGGC CAAAGAGAC CTCCTGCTTAA
421 CAAAGAGTCG CTCCTGCTTAA CAAAGAGTCG CTCCTGCTTAA CAAAGAGTCG CTCCTGCTTAA
481 GATTTGGAA TCGGCAAACTT CAAAGAGTCG CTCCTGCTTAA CAAAGAGTCG CTCCTGCTTAA
541 CGACATGTTG TTGGAGGAG CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAAGAAAG
601 ATTCAGCTTG TTGGCTGTTAG AGTTTGTGGA AGTTTGTGGA GTTGTGAGATA
661 CAGTGCTTG CTTCGGGAACT CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAAGAAAG
721 CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAAGAAAG
781 CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAAGAAAG
841 AAACAAAGCTG GGTGTTTACAG TGCAATCAAGA CCAATATACAG TGATATGTT
901 TCTGCGGGAA CAAAGATCAAGA CTCCTGCTTAA CAAAGAGTCG CTCCTGCTTAA
961 AAATCCAAAGA AGATGAACTA AGTTGGAGAG TGAGTGGAGAG TGAGTGGAGAG
1021 AGAGAGAACTA GAAATGAGTCG TAAATGGAGAG TGAGTGGAGAG TGAGTGGAGAG
1081 AGAGAGAACTA GAAATGAGTCG TAAATGGAGAG TGAGTGGAGAG TGAGTGGAGAG
1141 AGAGAGAACTA GAAATGAGTCG TAAATGGAGAG TGAGTGGAGAG TGAGTGGAGAG
1201 AGATGAACTA CTCCTGGGAACT CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAAGAAAG
1261 CATAGATTTAC AAAGGCTTAC ATTTGAGTT CAAATGAGTCG CTCCTGCTTAA
1321 CCTGGCCTAC AAATTTGCTA AGTTTGTGAA TGAGCTGAG TGAGCTGAG
1381 TTGGATGTTG TGCTGAGACT CAAAGAAAG
1441 AGAGAGAACTA GAAATGAGTCG TAAATGGAGAG TGAGTGGAGAG TGAGTGGAGAG
1501 ATTCAGCTTG AGCTCTCTT ACCTGCTTAC AGTACTACT AGTACTACT AGTACTACT
1561 ATCTGCTGGTA

SEQ. ID. NO. 235

1 MSAVVISFF LLLPFLPKV LSSSYTKKNS FFSPPSKLPLI GHPRHLGLP HRSIQLSNS
61 HGRMLMPLQF SVPLVLLASA EAESEIMDTC DLSFANPES TPSLPLFPP KWDVAFPSD
121 YWRNARSCIM LQLLNLKRVK SPKRKEET SLLLQRIRES PNSEVDFTEL FVSMNTNDIVC
181 RVALGRKYKD GEEGRKFKSL LLEFVLFLV FNIDGYMPM VAWMNFNGLN AKVDVKAKEF
241 DAFLIEDVIEE HGGNKSFDTE AEGADFVDL LQVHKENKAG FOVENDAIKA IIMDMFAACT
301 STSTTLEWT MHELLNPKT LNLKLRDVEPV VLGKETVEDE DDLLEMFLR AAVKSESLH
361 SPVFLVNEA IKARVLYD LARGTQVJVC EWAISRDPLN WBNPEEFTQE RFLDTSIDYK
421 KMFLLPFGA GRGCGCPGINF EAKFVNELAD ARMTHDFD SLPKGVKHEDL DVEELAGITY
481 RKKPLVLLA VTC

【図119】

FIG. 119

NAME D224-AP10
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 237

1 ATTTACCATC ACCTAAATGAG GAGGATGAGT GCGGTTTCTT AGGCTTCTGAG GCGGTTTCTG
61 CATTAGCTT TCTTCTTCTT CAAATGAGT AGGCTTCTGAG GCGGTTTCTGAG
121 CAAATGAGT CAAATGAGT AGGCTTCTGAG GCGGTTTCTGAG
181 ATTCAGCTTCTC AAAAATGAGT GAGGATGAGT GCTGCTGAA TTGGCTCTCA
241 CGGAGCTTCTC TTGTTGCTCA TCTGCTGAA TGGCAAAACAA GTTGTGTTAA
301 CTGAGCTTCTC TTGTTGCTCA ATGCTGCTT CTTGAGGAGTA TAACTATGCTG
361 ACATGAGCTT CTCGGCTTCTC ATGCTGCTT CTTGAGGAGTA TAACTATGCTG
421 AGATATTCAG TGGCAAAAGT CTAGCTGCTT CTTGAGGAGTA TAACTATGCTG
481 CTCCTGCTTCTC AGTGGAGAGT CTCCTGCTT CTTGAGGAGTA TAACTATGCTG
541 CGGAGATTCG CTCCTGCTCAGT CTCCTGCTT CTTGAGGAGTA TAACTATGCTG
601 CAACTGAGTC AGTAGAAGATG TTGGAGTAC CTTGAGGAGTA TAACTATGCTG
661 CTTCTCACAT TTGGAGATGG ATTCAGTGGC TCACTGCTT CTTGAGGAGTA TAACTATGCTG
721 AACAACTGAG CTCCTGCTT CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAAGAAAG
781 CGAGCTTCTA AGGAGATGAGA GAGAGATTT TTGGCTTCAAA AGCACTGTTG
841 TTGGCTTCTA AGGAGATGAGA GAGAGATTT TTGGCTTCAAA AGCACTGTTG
901 AGGGATTTGAG CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAAGAAAG
961 TTGGCTTCTA AGGAGATGAGA GAGAGATTT TTGGCTTCAAA AGCACTGTTG
1021 AGGGATTTGAG CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAAGAAAG
1081 AGGGATTTGAG CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAAGAAAG
1141 ATTCAGCTTAT AGAGAGTTGAG ATAGTGGCTG TTGGCTTCAAA AGCACTGTTG
1201 TTGGCTTCTA AGGAGATGAGA GAGAGATTT TTGGCTTCAAA AGCACTGTTG
1261 TCTGGCTTCTC AGTGGCTTCTC AGGAGATGAGA GAGAGATTT TTGGCTTCAAA AGCACTGTTG
1321 CTTGGCTTCTC AGTGGCTTCTC AGGAGATGAGA GAGAGATTT TTGGCTTCAAA AGCACTGTTG
1381 AGGGATTTGAG CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAAGAAAG
1441 TAATGTTGAG AGAGATTT TTGGCTTCAAA AGGAGATGAGA CAAAGAAAG
1501 TTGGCTTCTA AGTACCTCTGAG CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAAGAAAG
1561 TTATAGCTATC ATATCAATAT CTCCT

SEQ. ID. NO. 238

1 MENSFWLAF AGLSALAFIC KIITCRPVN RKIIPGPKWP PIIGHNLIL PIPHQSFULL
61 SKYKGEMLL KFGSRPVILV SAAEAKQEL KVHDNEAKR PFGKQYKTS YNQYKQWAS
121 YNQYKQWAS YLNGQIPTT KFQVPEVQK KFQVPEVQK KFQVPEVQK KFQVPEVQK
181 KFQVPEVQK KFQVPEVQK KFQVPEVQK KFQVPEVQK KFQVPEVQK KFQVPEVQK
241 KFQVPEVQK KFQVPEVQK KFQVPEVQK KFQVPEVQK KFQVPEVQK KFQVPEVQK
301 TGGTDSLTAQ VQWAFQELL RPRVIEKATE ELDKRVGKEV ELDKRVGKEV ELDKRVGKEV
361 LRHPLFLTML AHCAIEEDN VAGYDQKST TVLWNWTCI ROPKWDRAF EFLPERFLN
421 DIDMDGHNF AFLPFGSGRR CGYSLGLK VIRTLNMLH PGNWKLPEGM KFEDVISVE
481 YGLTTHPKF PVFVILESRSL SDLSYPT

【図120】

FIG. 120

NAME D224-BD11
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 238

1 CTCATTAATCC ATTCACCTTAA ATGGAGATTG CTGGGGTTTT TCTTACCTCTG CGAGGGCTTAT
61 CGCTGATTAG TTTCCTCTGTTT AAAATATCA TGCTGCTGAG ACCTGGTTAC CGGGAAATAC
121 CACCAAGCTTC AAAAACACGG CCAATCATG TGCTGCTGAG ACCTGGTTAC CGGGAAATAC
181 ATCAACATCTC TTGACTTGTGTT TCCAAAAAAT ATGGAGAGT GATGCTGCTGTT AAAATTTGGCT
241 CGGGCCAGT TCTTGTGCTG TTCTCTGCTG TGCTGCTGAG TGCTGCTGTT AAAATTTGGCT
301 ATGGAGCTAC CTCCTGGGTT CCACTGCTG TGCTGCTGAG TGCTGCTGTT AAAATTTGGCT
361 ATGGAGCTAC CTCCTGGGTT CCACTGCTG TGCTGCTGAG TGCTGCTGTT AAAATTTGGCT
421 ATGGAGCTAC CTCCTGGGTT CCACTGCTG TGCTGCTGAG TGCTGCTGTT GTGAGAAGAA
481 GGCACCTGGT GTTGGCTTCTC CTGAATTTCC TTGGCTGAAA CGCATTTTTT CTCAAAAGCC
541 ATTTGCTGC ATTTAGCTTC TGAGCTGAGA CAAAGATGGG TTGGCTGAAA CGCATTTTTT
601 AGTGGACATC AGTTAGAGTA GAGAGATGAG TGAGCTGAG TGAGCTGAG
661 AGTGGACATC AGTTAGAGTA GAGAGATGAG TGAGCTGAG TGAGCTGAG
721 AGTGGACATC AGTGGAGAG TGAGCTGAG TGAGCTGAG TGAGCTGAG
781 AGTGGACATC AGTGGAGAG TGAGCTGAG TGAGCTGAG TGAGCTGAG
841 TCTGGCTTCAAGATGAGTGAG TGCTGAGACT CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAATGAGT
901 AGGGATTTGAG CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAATGAGT
961 AGGGATTTGAG CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAATGAGT
1021 AGGGATTTGAG CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAATGAGT
1081 AGGGATTTGAG CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAATGAGT
1141 ATTCAGCTTAT AGAGAGTTGAG ATAGTGGCTG TTGGCTTCAAA AGCACTGTTG
1201 TTGGCTTCTA AGGAGATGAGA GAGAGATTT TTGGCTTCAAA AGCACTGTTG
1261 TCTGGCTTCTC AGTGGCTTCTC AGGAGATGAGA GAGAGATTT TTGGCTTCAAA AGCACTGTTG
1321 CTTGGCTTCTC AGTGGCTTCTC AGGAGATGAGA GAGAGATTT TTGGCTTCAAA AGCACTGTTG
1381 AGGGATTTGAG CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAATGAGT
1441 AGAGATTTAG TCTGGCTTCTC AGGAGATGAGA GAGAGATTT TTGGCTTCAAA AGCACTGTTG
1501 TTGGCTTCTA AGTACCTCTGAG CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAATGAGT
1561 TTCTGTTTAA AGCATCATAT CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAATGAGT TGCTGAGACT CAAATGAGT

SEQ. ID. NO. 240

1 MENSFWLAF AGLSALAFIC KIITCRPVN RKIIPGPKWP PIPHQSFULL
61 SKYKGEMLL KFGSRPVILV SAAEAKQEL KVHDNEAKR PFGKQYKTS YNQYKQWAS
121 YGPPWROARR RIYLNQIPTT KRLDSFEYIR VEERGALISQ ILSLAKPFF LKRLHSRFL
181 CSMTRFLVLSN KYEGETVPR EDLQYLVIDW FLINGARNP DWIPLWFLP LDGVYKQMK
241 LKRLHSRFLVNN IFLDQVHRAK NAEKHFVKEW MVVFLVLMEE DPNLVEKLN DCKVGLMQL
301 LGTGTDSLTAQ AVQWAFQELL RQPRVIEKATE ELDKRVGKEV RWEEKVQK
361 KFQVPEVQK KFQVPEVQK KFQVPEVQK KFQVPEVQK KFQVPEVQK KFQVPEVQK
421 DNDIMDGHNF AFLPFGSGRR CGYSLGLK VIRTLNMLH PGNWKLPEGM KFEDVISVE
481 YGLTTHPKF PVFVILESRSL SDLSYPT

【図121】

FIG. 121

NAME D228-AD7
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 243

1 TGATGAAAGCT CTTTCACTCTC TTGGTAGGAACT CACAGATGTC CACCAAGTCCC TATAGGCTTA CCTCTTCTCTA
61 AATTCRAAAA TGTTGGAAAT AACAGATGTC CACCAAGTCCC TATAGGCTTA CCTCTTCTCTA
121 GAAATTTGCA TCAAAAGCTG AGTAACTCTC CTCTATCTA TTTTGAGAA CCTTCACAAA
181 AATATGGCA AATCTCTCTA TTAAACCTG CTCTCTACTAA TGTTGGAGTA GTTCTCTCAG
241 CAAATTTAGA AAAAGAGTA TTGGAAAAC AAGGATTAAAT ATTGGTAGT AGACCACTTA
301 GGGAAAGGAA AACAAAGCTG CTTATATG TGCCAGGTTT AAGGATGCTT GAAATTTGAA
121 GGGAAAGGAA AACAAAGCTG CTTATATG TGCCAGGTTT AAGGATGCTT GAAATTTGAA
421 GTCCAACTCG TGAGAGCGA GUTTTTAAAGA TGTTAGAGA AATCTCAAA CAAGCTCTTA
481 CTTCACAACT TGTTTAAAGG AGTAAATTTG TGTTTCAAT AACAGATCA AATTATTTGAA
541 GAGTTGGCTT TGTTTAAAGG AGGACATGTC AAGGAAAGGA TGTTAGTTTC
601 TTGTTGGCGC GGGCAACAGGA AGGAGCTCA GTTCTCTCTA ACGTGGATT TTGTTGGCTT
661 TAATGGATG TGAAATGAAAGA GGGAAAGGAA GGGAAAGGAA GGGAAAGGAA GGGAAAGGAA
721 TGCAAGGAAATTTG TGAAATGAAAGA CTCATGAGC AAGCAAAAGA TGCAATGAGC
781 TGCAAGGAA TGTTGTTAG TGTTTCACTC ATTGGAGGA AGAGAAATTA ACACCACTTG
941 ATCTCACTG GGAAAGCTA AAAGGAGTA TGATGATGT GTTGAATGCA GATGAGAGCA
901 CTAGTGAGA TGAGTACTGT TGGGCAATGA CAGGGCTGTG AAAGGAAATG
961 AAAAGGTC AATGAAATC AGGAAATC TTGGAGAA AGGGATGTTA ATAGAGAGAC
1021 ATGAGGAA TGAGTACTGT TGAGGAAAGA AGGGAAATG
1081 ATGAGGAA TGAGTACTGT TGAGGAAAGA AGGGAAATG
1141 ATGAGGAA TGAGTACTGT TGAGGAAAGA AGGGAAATG
1201 GGGAAATTCG AGAGTAACTT ATGCTGAGA GATTGTTGAA TAGGCAATTC GATTACAGAG
1261 GTCAAGATGG AACAGATGTC CTTGTTGGT GGGAGGAG
1321 TTGGGGTGTG ATTCATGAG TGTTGTTCTC CAAACCTCT TTGAGCAATG GGTGCGGAT
1381 TGCTTATGG AGTAAATTAAGA GAGCAATG TGTTGTTCTC
1441 TGCTTATGG AGTAAATTAAGA GAGCAATG TGTTGTTCTC
1501 GATTCATGCG CGGGTCACTG AGCTTATTAAG TTGTTGTTCTC AATTAATGAT
1561 ATTAATGAA TGACATGTTA AAATGTTAA ACCATTGCTCA TTGTTGTTCTC

SEQ. ID. NO. 242

1 MLLGELVAPL FLLILPLPKF KNGGNNRLPF GPGLEPLGH LQDQDUDTHP IYFWKLSKNN
61 SKFIZLMLAS TAVVVSUSSAK LAKSVLKKOD LIFCSRPSPIL GGQLKSYGR DIAFNIDWPR
121 MRKICVHLMLF SLKXVQLFLP IDEVEFMRM KKISKQASTS QIILNLSNML SITSTIICRV
181 AFGVRIEEA HARKKRFPLL AEQEMMFSF FVSDPFPFLS WIDLKLGLTY RLERNFKLD
241 NYEELEIQLQ QNPNPKYKQ GDIVDILQOL KKEKUFLPLD TMEDIVKGLM LNVLVAGS
301 AAATWVAMTA LNLKPKMEEK VCLERIKSTG KKGIVNEEDV QNIPYFKAII KELFLYPPA
361 PLIVFRESNE KILLEGSTT PFTVHNWAN AIADEPEWE NEDPEFPERE LNSIYDQG
421 DFLIPFQGNG RRGCPGZALG VASHMELON LYIAFDWLFY YQVAKEDDT NVRGJAMH
481 KHELCLVPHN YU

【図122】

FIG. 122

NAME D228-AB8
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 243

1 CAAATTTGCA CTTTCACTCTC TTGGTAGGAACT CACAGATGTC CACCAAGTCCC TATAGGCTTA CCTCTTCTCTA
61 AATTCRAAAA TGTTGGAAAT AACAGATGTC CACCAAGTCCC TATAGGCTTA CCTCTTCTCTA
121 GAAATTTGCA TCAAAAGCTG AGTAACTCTC CTCTATCTA TTTTGAGAA CCTTCACAAA
181 AATATGGCA AATCTCTCTA TTAAACCTG CTCTCTACTAA TGTTGGAGTA GTTCTCTCAG
241 CAAATTTAGC AAAAGAGTA TTGGAAAAC AAGGATTAAAT ATTGGTAGT AGACCACTTA
301 TGTTGGCGC AAGGAAATTCG CTTGTTGGT GGGAGGAG
601 TGTTGGCGC AAGGAAATTCG CTTGTTGGT GGGAGGAG
661 TGTTGGCGC AAGGAAATTCG CTTGTTGGT GGGAGGAG
721 TGTTGGCGC AAGGAAATTCG CTTGTTGGT GGGAGGAG
781 TGTTGGCGC AAGGAAATTCG CTTGTTGGT GGGAGGAG
941 TGTTGGCGC AAGGAAATTCG CTTGTTGGT GGGAGGAG
901 GTTCAAGGAA TGAGTACTGT TGAGGAAAG
961 AAGGCAATGA AAGGAAATTCG CTTGTTGGT GGGAGGAG
1021 ATGAGGAA TGAGTACTGT TGAGGAAAGA AGGGAAATG
1081 ATGAGGAA TGAGTACTGT TGAGGAAAGA AGGGAAATG
1141 ATGAGGAA TGAGTACTGT TGAGGAAAGA AGGGAAATG
1201 CTGAAATATG GCAAAATTCG CTTGTTGGT GGGAGGAG
1261 ATGAGGAA TGAGTACTGT TGAGGAAAGA AGGGAAATG
1321 TTGGGGTGTG ATTCATGAG TGTTGTTCTC CAAACCTCT TTGAGCAATG GGTGCGGAT
1381 TGCTTATGG AGTAAATTAAGA GAGCAATG TGTTGTTCTC
1441 TGCTTATGG AGTAAATTAAGA GAGCAATG TGTTGTTCTC
1501 GATTCATGCG CGGGTCACTG AGCTTATTAAG TTGTTGTTCTC
1561 ATTAATGAA TGACATGTTA AAATGTTAA ACCATTGCTCA TTGTTGTTCTC

SEQ. ID. NO. 244

1 MLLGELVAPL FLLILPLPKF KNGGNNRLPF GPGLEPLGH LQDQDUDTHP IYFWKLSKNN
61 SKFIZLMLAS TAVVVSUSSAK LAKSVLKKOD LIFCSRPSPIL GGQLKSYGR DIAFNIDWPR
121 WREMRKICVHL FLLSLLKKVOL FSPFIREDEVF RMKIKKISQD STSCLINLNS IMISLSTII
181 CRVAFVGRPF EBNKAKRKF DFLPAREPMM ASFVSPDFP FLSWIDKLS LTYLERNFK
241 DLDNFYEEVLA EQBQNPKNPKF YMEGDIVDVL LQLKKEKLF PDLTMEDING ILMNVVLVAGS
301 DTSAAATVLA MTAJLKNPKA MEKVQVLIRK SVGKGVIVNE EDVQNPYFK AVIKEFRLV
361 PPAFLIVFRESNE SMKETILEY EIRPFTVHV NWAIWAIIRDE IWENPDEPIP ERFINNSSDY
421 KQDGFELPQF GRQRCGZALG VASHMELON LYIAFDWLFY YQVAKEDDT NVRGJAMH
481 MHHKNECLVPHN YU

【図123】

FIG. 123

NAME D235-AB1
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 245

1 AAAATTCATA ATGTTTTTC CCAGTCAAGC CTTGGAGAA CTTGGAGCTT CGATGTTCT
61 CCTTACTCTC CTATGGAGAA AGTAACTCTC AAGGATCTGC AACAGATGTC CACCAAGTCCC
121 CCTTACTCTC CTATGGAGAA AGTAACTCTC AAGGATCTGC AACAGATGTC CACCAAGTCCC
181 CCTTACTCTC CGAAATCTG CAGGACTTAC TGTTAACTC GGCCCCGTTG TGACTTTCTC
241 CCTTACTCTC CGGGATGCTG TAGTTGAAAG CAGTTAGGA AGCTTAAAGAA ATGCTTCTC
301 TACAAATGAC GGCATTTTC CCAATGCTG AGCTTCTC TGCGCGAACT ACCTTGGCTA
361 CAATAATGAC GGCATTTTC CCAATGCTG AGCTTCTC TGCGCGAACT ACCTTGGCTA
421 AGTCAATGAG GAACTTCTC CTGCTAGTC TCTCGAAAG AGGGAAATG
481 CAGGGCAATG AGGGAAATG AGGGAAATG TTGGGGTGTG AGGGAAATG
601 GAAATTTAGA GAACTTCTC TTGGGGTGTG AGGGAAATG
661 GAAATTTAGA GAACTTCTC TTGGGGTGTG AGGGAAATG
721 TAAATGGGTT GTCATATTCG GTCATATTCG AGGGAAATG
781 TCAAGATGGT GTCATATTCG GTCATATTCG AGGGAAATG
841 TCAAGATGGT GTCATATTCG GTCATATTCG AGGGAAATG
961 GGGGGGAGCA GGGGGGAGCA GGGGGGAGCA GGGGGGAGCA
1021 TCAAAATGCA TTGATGAGA CACAGAGAGA GATAGACAA AGGGATGTTA ATGATGAGAT
1081 GGGGGGAGAG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG
1141 AGGATTAATG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG
1201 AGGATTAATG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG
1261 AGGATTAATG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG
1321 AGGATTAATG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG
1381 TCCGGGGATG AGCTTACGAG TGCAAGTGGG ACACCTTACA ATGGGACATT TAATCCAGGG
1501 ATTAACGTTAG GAAATTCGAG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG
1561 CTAACACCTA AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG

SEQ. ID. NO. 246

1 MVFPIEAFVG LVTFFPLLYF LWTKKSGMDF HLLKPKHGG WVEVGHLEHF NNGGDRBLLA
61 RKLGLDIAKTY GPFVTEFLGK PFLVFLPFLD ALQGCTTCTD AAFPSNPAFQ WVEVGHLEHF
121 MFLALNQKDF WVEVGHLEHF VFLVFLPFLD AAFPSNPAFQ WVEVGHLEHF
181 MFLALNQKDF WVEVGHLEHF VFLVFLPFLD AAFPSNPAFQ WVEVGHLEHF
241 DFGGHKMKF RTFKKIDSVFQ ONLLEKRRDA DFLVHNNHG MTLININQNA LNKQGEELDT KVGRYKVNVE
301 GYSRZTVAK TVEFLVILDA DFLVHNNHG MTLININQNA LNKQGEELDT KVGRYKVNVE
361 SDIKDLYLQ AIVKVKLRLA PFGELVLPHE YVDCVUSVY HXPKGTRLFA NVMKLGRPK
421 LLSDPNDFKDP ERFIAGDIF RGHYHYEIFF GSGRHSCPDM TLYQVHLT MAHLQIYNT
481 KTPNDEALDM KEGAGTIRK VNFVLLPFLP RIAFELY

【図124】

FIG. 124

NAME D243-AB2
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 247

1 CARAAATACA TTCACTCTCTC CTTGGAGAA CCTTAATGG
61 TCACTCTCTC CGGGAAATTCG CGGGAAATTCG
121 TCACTCTCTC CGGGAAATTCG CGGGAAATTCG
181 TTAAACCTCG AGGGAAATTCG CGGGAAATTCG
241 ATGGGTCGA CGTAACCTCTA TTGGGGTGTG
301 CACACAACTG GTTGAATTCG GTTCAAGAC
361 ATGGGTCGA CGTAACCTCTA TTGGGGTGTG
421 TTGACTCTGA CTATTTCTG TTGGGGTGTG
481 TTGACTCTGA CGGGAAATTCG CGGGAAATTCG
541 CGTATTTGAG AGGGAAATTCG AATTAATGAG
601 TGGAGGTTA GAGGGTCAAG AGGGAAATTCG
661 AAGGAGTGA TTGGGGTGTG AGGGAAATTCG
721 GCTCTTCTG AGGGAAATTCG CGGGAAATTCG
781 TCAAGATGGT GTCATATTCG GTCATATTCG AGGGAAATTCG
841 TCAAGATGGT GTCATATTCG GTCATATTCG AGGGAAATTCG
961 TGAGGAGAC TGCTCTTACA TTGGGGTGTG
1021 GGGGGGAGCA GGGGGGAGCA GGGGGGAGCA
1081 GGGGGGAGAG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG
1141 AGGATTAATG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG
1201 AGGATTAATG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG
1261 AGGATTAATG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG
1321 AGGATTAATG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG
1381 TGGAATGCA TTCTGGGG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG
1441 TCCCTGGGG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG
1501 TTGGAGGAT AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG
1561 TTGGAGGAT AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG AGGGGGAGAG

SEQ. ID. NO. 248

1 MLLGELVAPL FLLILPLPKF KNGGNNRLPF GPGLEPLGH LQDQDUDTHP IYFWKLSKNN
61 YAKFEDVFLGK PFLVFLPFLD VGGELVLPHE YVDCVUSVY HXPKGTRLFA NVMKLGRPK
121 MFLALNQKDF WVEVGHLEHF VFLVFLPFLD AAFPSNPAFQ WVEVGHLEHF
181 MFLALNQKDF WVEVGHLEHF VFLVFLPFLD AAFPSNPAFQ WVEVGHLEHF
241 ICKEVKERL CLFKYFVFD RKLKLNSTKSS DSNALKCAID HILEAQOQGE INENQYLYV
301 ENINVAIAET TWSIENGIA ELVNHQHIOK KLRDEIDVFL VFLVQVTEPH THKLEYLQV
361 IKAELRLRMF IPLVPHMFL HDNLGQHFL PAAESKLIVNA WFLNAPRHW KPEPEFRPER
421 FPEEZEKIVEA NGNDPFLYKZ CTCACCTCTA TTGGGGTGTG
481 TTEKGGQFSL KLLKSTVTE KFSE

【 図 1 2 5 】

FIG. 125

【図127】

FIG. 127

NAME	D248-AR6
ORGANISM	NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO.	233
1	CCAAATCATG GGTGTTTATG TTTGAACTTA TAAAGGAAAG CCGATTTTGT GTCAGTCAGA
61	AACTCTGGCA CCTGTTTCTG TTTTCAACCG CCGCCCGGCG GGGCGGCGT GCGCCGCG
123	CCCGGCGCG TCCGATTTA CGGTTGTTTGT TGGGGCTTGT TGGGGCTTGT GCGGAACTT
181	ACGGCTCGGT TTTCCTCGATA TTCTTGGGT CAACTTGTAA TGGGGCTGTTA ACCTACGCTG
241	TTAGTCTGAA AGGATGATG TAAAGGAAATG ACCGAGATTT AGCAGATGAA TGGGAGTATA TTTAGGACCA
301	GAGCTTGGCA TAATTTGGAC AGAATGGGG TGGATTGTT TGGGGCTGAG TATGGGCTTC
361	ATTATGGTAA AGTAAAGGAA CTCCTGTTG TGGAGGTTG TACCTTCAGA AGACTTGG
421	CTCTTGGAC TTATGGAGAA GAGAATGTTA CTCTGTTAG TGGAAACAGT TTCTCAGAGTC
481	GTCTATGTTA TGGGGGGGAA TGGGGGGGAA TGGGGGGGAA TGGGGGGGAA TGGGGGGGAA
541	GGGGGGGGAA CACTTCAGG TTTAATGGGG TGGGGGGGAA CTCGAGGTT CTCGAGGTT
601	TTGATGGCGCA AGTTCAGGA TCTTCAAGGG TTTGGCTTAA TGGCTCATTA NTGGCGCGGA
661	AACTTCCTT CGGAGGATGT CTTGGATTCGG CCGCTGGTT TTTGCAACAG GAAACAGGCA
721	CCTCTGGCA GCACTCTGCA CTTAGAGGATC GGTGTTACAA AGATGTCATG GTGAGCACA
781	CACTGGTCA CGAAGGAAACT GGGTGTAGCA AGACGACATG TGTGCTTCA TTGGTTCTAC
841	TTCAAGACCA TGTATTTCTG AGTATGATCA CTTGTATG TGTATCTG GATATGTTA
901	TTGGGGGGAA TGGGGGGGAA TGGGGGGGAA TGGGGGGGAA TGGGGGGGAA TGGGGGGGAA
961	ACCCAGGTG GCAACTTAA CCTGCGGGAG AGCTGGGGGG GGTATATGGGA AGGTGATGGCA
1021	TCATCTGAA AACCGATTTC TCAATACCTG CTTCATCTGAA TCACTGGCA AGGGATGCTC
1081	TAATGGCTA CGCTTCCTG CCTCTTCAAGT TTCTCTGAA CGGGGGGGGG AGAACGGCTC
1141	TTGGTGGTAA TGACATTTCTT CCTTCTGAA TGGGGGGGG GGGGGGGGG AGAACGGCTC
1201	GTGAGGACCG GGTGGGGGG AGGGGGGGGG AGTTGCAACG AGGGGGGGGG CTTGGAGGA
1261	GGGGGGGGGG AGGGGGGGGG AGGGGGGGGG AGGGGGGGGG AGGGGGGGGG CTTGGAGGA
1321	GGGGGGGGGG AGGGGGGGGG AGGGGGGGGG AGGGGGGGGG AGGGGGGGGG CTTGGAGGA
1381	TTTTTACATG GGGCTGGGGC GGGGGGGGGT ACGGGGGGGGG TAAAGGAGGAA TTTAGGACTG GAGGAGGAGG
1441	CTGGAGGCTA AACCTTACATG AAAAAATCTG TAAAGGAGTAA CCTTCAACCTA AGATGGTCTG
1501	CACTCTGTA TTGGACGTTG CGATGGTATA TGTAAAACAT TTGGTCTTCTT CCCTTCTTCTT
1561	TTATATGCA AG

【 図 1 2 6 】

FIG. 12d

NAME: **ICAN-1** - PARI
ORGANISM: **NICOTIANA TABACUM**
SEQ. ID. NO. **251**

```

1 TGTATGCTGT CTTTGTACTG TTCTTGAGCC TCTCTTCTCT TCTTATTATT CTCTCTCTCT
 61 AATTAACCAAA TGTTGGAAAC AACAGATGTC CACCGAGTC TATAGGTTTA CCATCATGTC
121 GAAATTTGAA TCATAGATG AGATTAATGC CTCATACATG TCTTCTTCTT CTCCTTCTCT
131 GATTTGATGTT TGTGTTGTTT GATTTGTTT GATTTGTTT TGTGTTGTTT GATTTGTTT
241 CAAATTTGAC AGAAAGAATA TGTAAACAAA AGATTTGAT TATTTTGTAG GATTTGATCA
301 TCTTGGCCCA AACAAACATC TCTTAACTG TGTCTTGTG TCTTGTGTC CCTTAAATAG
361 ATTATGGAC AGAAATGAGA ATTAAATTTG TTCTTCCTC TTCTTGTGTA ATTAAATGTC
421 AATTTATGAG TCCAACTTGTG GAGAAGAGA TTATTTGAG GATTTGAGA ATTAAACAAAC
481 AATGCTCTTC TCTTACAACTA ATTAAATTTGAG TGTGTTGAG GATTTGAGA ATTAAACAAAC
541 TCTTCTTCTT TCTTCTTCTT TCTTCTTCTT TCTTCTTCTT TCTTCTTCTT TCTTCTTCTT
601 TTGTATCTTC TTGGCCGCAAC GCAACAGAA TGATGTCCTG TTCTTCTCTC TTGTGTTT
661 TTCTTCTTCTC AGATTTGTTA GATAAAATTT TTGTGTTGAG TTTAGAGCT GAGGAGGAGT
721 TCAAGGATTT GGTAAATTTC TTGTGAGGAG TTGTGAGCA ACATCAAACT CCTTAACTAAC
781 CAAAATTTGAG GAGGAGGAGT ATTGTGAGC TTGTGAGCA TTGTGAGCA TTGTGAGCA
841 TCTTCTTCTT TCTTCTTCTT TCTTCTTCTT TCTTCTTCTT TCTTCTTCTT TCTTCTTCTT
901 GATGCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTT
961 GAGCTCTTGA AGAAATGTC TGTCTTGTG TGTCTTGTG GAGCTCTTCA GAGCTCTTCA
1021 ATGAGCTTGA TGTCCTTCAAC MCTTCTTCTT TTAAAGAGCT GATTAAGAGA GGTGATTTCTA
1081 TGTATGCCAC CAGTCCTACTG TTATGTCCTA GAGAAATCTC GATTAAGAGA ATTATTTAGAS
1141 GTTATGCTTCA TGTCTTGTG ACCCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTT
1201 GATTTGTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTT
1261 ATTACAGGTC TCACTATTTG GAGTTTACTTC CATTGTGTCG GACGGAGGAA GGTGTCGCG
1321 GTTATGCTCT GGTGGTTGTCG CTCAGCTTGC TGTCTTGTG AAATTTCTTC TATGCTTGTG
1381 ATTGGGAGCT GCTTCTTGTG GGTAAAGAAA AGAACAGNC GCAACAGCT AGGCCAGCTT
1441 TTGGCTCTGG CAAAGAAAAG GAACTTGTG TTGTCTTGTG AAATTTCTTC TAAATTTATA
1501 TGGGAGCTTCA TTTCTTCAATG AGTTCTTGTG GGTGTCG

```

```

SEQ. ID. NO. 12
1 MFLFLFLVALE FILIFLFLPKK KNNGNNRLLK GRIGLFLFIDN
HMQYDGLVLLK IYKPLFLKLLK
61 GKFKSKKFLP TNNVVKVLLK PFLVLLKFLP DFLVLLKFLP DFLVLLKFLP
121 KFLVLLKFLP DFLVLLKFLP DFLVLLKFLP DFLVLLKFLP DFLVLLKFLP
181 CRVAFGKF EFLAKHAKPFD FLIAEKGEMM ASFVSPFDPLF FLSWIDSLKPL
241 DLFNQYFLF EHQHQNPKPKF MVEGIDVLLF DLQKXKELPLP LDTHLMEDKG
301 DTSAAATVNA MLALIKNKKA MVEKMLVLEIRL VSKVKGKVKLPLP EDVQYHPLFV
361 PFAELVMEV SMLLSELEGP EFLRIPVTHW NWANATVIA IWEFNDVKEET
421 KFLVLLKFLP DFLVLLKFLP DFLVLLKFLP DFLVLLKFLP DFLVLLKFLP
481 MFLVLLKFLP DFLVLLKFLP DFLVLLKFLP DFLVLLKFLP DFLVLLKFLP

```

【 図 1 2 8 】

FIG. 12

NAME	D24-A8
ORGANISM	MICROTIANA TABACUM
SEQ. ID.	NO. 254
1	ATACCTAAAT TTTCATGTAC TCTCATAGGT CAAAAGTTTC AACCAAATTC ATGGCTTCAT
61	CCTTCAATTAT CATATCCATA ACCCTTAATT TTCTACCTAA TAACTCTAT CACCGCTTAT
121	GATTCAATTA CCGGACCAAGGT CGGGCCGGCT TACCGGTTGT GGGAAACCTTC CACCGTATCAT
181	AACGGTGTAG ATTCGGCTGTC TTGGCCGAT GGGCCACCTTC ATTCGGCTTC ATTTCCTTC
241	TATATGTTATG TTGCACTATA ATAGTGTTTC TACCAACAGC TAACTTTAGT AACAGGATAT
301	GGGGGTTTGTG TGGGGGGGGG TGGGGGGGGG TGGGGGGGGG TGGGGGGGGG TGGGGGGGGG
361	GGCGAAATGGG GTGGTGGGGGG ATTGGGGGGGG ATTTGGGGGG TCTNTATGTG TAACTGGGGGG
421	AGCTCTTCTTCTG TTCTGGCTCT TTTTACTTCCTT AAAGACTGCTC TTTTAACTGGG TCTTAACTGGG
481	AAAGTAAGTAAT TGCCTGCTAA TTGTAAACATC TTTTCAAGGA TTGGTACTAAG CTCTGATGAACT
541	CAGGTAAAGGAA CTGGTTGAGA AGGGAGACTG TTAGGATCTC AGGATCTTCAAC AACATTAACAA
601	GGTTGTTGTTG TGGGGAAAGGATC TTCTACATGGG CTTGGGGGGGGG TGGGGGGGGG TGGGGGGGGG
661	GGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG
721	ATGTCCTCNGC CCTCCCTTGG TTTTCTCAAA TGGAAAACGA GGCATCTCTGG GGGACCTCTGG GGGACCTCTGG
781	CAGCTTAAAGA CGGGTGGGAA AAGAATGATCA TTGGATGAAAC AAAGCTGGGG CACAGCTGGGG CACAGCTGGGG
841	CTGGTGGTAACT TAAGCAGCTT TTGTGTCGAA CATTCCTTCCT TCTTCAGAAG CAGTATGATC
901	TTAGTGTGTA CAGCTGTAGG GGCGCTCTTC GGGATGTATG TACAGCAGGA TGGACACAA
961	CAACATTTAAAT AGTGGATGATG GGGATTCGCA AACTAGTCTA GAAAGCTCA GGGGCACTAA
1021	AAAGGCTGTTG TGGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG
1081	TTCTTCTTCTT TCTCTTCTTCTT CAACTGTTCTG CCAAGCTGCTC TCTGCTGCTG CACCTGCTCTA
1141	CTCTCTTCTTAT GCTCTTCTTCTT GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG
1201	CTTGGGGGGTC CATTGCGCA GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG
1261	GAACGGGGGG GGAAGTCAGA CGGGACGGCT CTTCTGTCGG AGAGCTGGGG AGAACGGGGTC
1321	ACGGATCTTCG GTTATTTGGCC TTGTGTCGAA GAGGGGGGGT TTGGCTTCCAC GGGGGGGGGGG
1381	CTTACATCTACG GGGTACATCC ATGGTGGTCG ATTTCCTTCCTC TCAATTTCCTC TGGGGCTTCCTC
1441	GGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG
1501	TGGAACTTCTTC ATTACAAAGCT TTCTACACTA CAAAGTGTGGC TGGCTGCTG GGGGGGGGGGG
1561	TGGCGGATGGG TGGATTAATG GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG GGGGGGGGGGG

【図129】

FIG. 129

NAME D250-AC1
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 257

1 ATGCTGCTT TCTTACGCTT TCGAGCCCTT CCTTTCATTC TCTTCTTCTT TCTCTTAA
61 TCCAAATG TGCGGAAATA CAGATTCSCCA CGAGTCCTCA TAGGTTTACG ATTCACTGG
121 AATTGCGATC ATATGATG TATAAATCTC CATACTTATT TTTGAAAT TTCCAAAAAA
181 TAATGGCAAA TCTTCTCATC AAAATTCGTC TCTACTAATG TGTTAGUAGT TTCTTCAGCA
241 AATTAGGATC AAAAGAGTATC GAAAGAACAA GATTAAATAT TTTTGTAGAG ACCAATTTAT
301 CTGGCCCAAC AAAAAGCTGC TTATTTAGGG CGTGAATATG CTTCGACCC TTCAATGAT
361 ATTTGGATC GAAAGAACAA GATTAAATAT TTTTGTAGAG ACCAATTTAT
421 GCTTCAGT CAACTAAAT TAAATTTAGT ATTATTAAGA TTTCATTAAC AGTAACTAT
541 ATTTTGAGG TTGCTTTTATG TTGTAGTTG AGAAGAGAG CACATSCAG GAAAGATTAT
601 ATGCTTCTT TGGCTTTTATG TTGTAGTTG AGAAGAGAG ATGGCTAGTT TCTTGTATC TGAGGTTTTC
661 CCCCTTTTAA GTTATGATCA CAAATTATC GGAATGACAT ATAGATTTGA GAGGATTTC
721 TGGGATGATC TGGGATGATC TGGGATGATC TGGGATGATC TGGGATGATC TGGGATGATC
841 CACATGATC TGTATGGA AGATTAATAA GGAATTCGA TGATGTTTGG AGTGGAGGA
901 TCAAGACATA TGCGGAGCTG AGATTAATAA GGAATTCGA TGATGTTTGG AGTGGAGGA
961 GGCATGGAA AAAGTCGATC AGAAATCAAG AAAATCAGTG GGAATGAGGG CCTTGTATAAA
1021 GAAGAGAGTC TCAACAAATC CCCTTATG TAAAGGAATG ATTATGGTT
1141 TATTTGGATC TGGGATGATC TGGGATGATC TGGGATGATC TGGGATGATC TGGGATGATC
1143 GCGGATGATC TGGGATGATC TGGGATGATC TGGGATGATC TGGGATGATC TGGGATGATC
1201 GAATATGGG AGAATTTGG GTTATCTCA TTTGGTGGAG CAGATTCGAT
1261 TACAGGGGG AGAATTTGG GTTATCTCA TTTGGTGGAG CAGATTCGAT
1321 ATTCGACTTC GGTTGTCATC ATCGAACTC GCTTGTCAA ATCTTTTTA TGCAATTGAT
1381 TGGGATGATC CTATGGAATG GAAAGAACAA GACATGACA CAAAGCTTACG GCTGGAATT
1441 SCATGAGC AGAAAGAACAG ACCTTGGCTT TGCCCCAAA AAAATTATTTT AAAATTATTT
1501 GGGAGCTGGA TCTTCATGCA GTTGTGCG GTCACTGAG CTAA

SEQ. ID. NO. 258

1 MFLFLVALP FILFLPLPKF KNGGNNLFLP GYGLFLFLN LMQGDSITP IYFWKLSKKY
61 GKFSLKLAS TNVVVSSAK LAKEVLLKKD LIFCSRSPIL GQKLSYIGR DIAFAPYIY
121 WRSRKLKV LFLSFLKVL FSPFREDFV FMKIKLSQK STPFLKFLK LMSDLSL
181 TGGGATGATC TGGGATGATC TGGGATGATC TGGGATGATC TGGGATGATC TGGGATGATC
241 DLQNFYEEELI EQLHONPNKKEK YMEGDIYDILL LQLKKEKLTF LDLMEDIKG ILMNVLVAGS
301 DTSAAANVVA MTAJLHNPKA MEKVQLEKZI SVGKKGIVNE EDVNQIYVFK AVKIEIPLY
361 PPAPLIVPRR SMKETILEGY EIRFRIVMVW NAWAIARDFE IWEWNEDEIF ERFLNNSIDY
421 KQDQFELLFF GAGRGRGCPG ALGVASNELA LSNLILYAFW ELPYGVKKED IDTNVRGIA
481 MHKNEELCLV PKRLFNYING TWISC

【図130】

FIG. 130

NAME D259-AB9
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 259

1 CAGTCGCTT COTCTCCCA ATCTACTGAT CACCCACCAA AGTACCAACA ATTCAATGGGA
61 AGCTACACAC TTGACTCATC ATGCGACAG ATTCCTCTGAT ACTCTGTTTC TTCTGTCCT
121 TCCCAACTT CTTCGACAGA GGAACATCA TTACCTCTCA GGCCCCAAACAG CAGGGCCGAT
181 CATCGGAAATC TAAACCTTA TTGCGACATC TCTTCATGCG TCAATCCAC AGCTCTCT
241 CAAGTGGATC CGCGTATTCG AACTCTGC CCGGCTGATC CCGGCTGATC CCGGCTGATC
301 CGTCGAAATC CGCGTATTCG AACTCTGC CCGGCTGATC CCGGCTGATC CCGGCTGATC
361 AGCAATGG CGGAAATCA CACGCTACAA TTATTCGAT ATTACATGGT CTCTCTACG
421 AGCAATGG CGGAAATCA CACGCTACAA TTATTCGAT ATTACATGGT CTCTCTACG
481 CCGTCTACAT GAGTATATTG TTTCGAGGA TTATTCGAT ATTACATGGT CTCTCTACG
541 ATATCTGCAG AAACGATTCG AGTGGATGTT TTATTCGAT ATTACATGGT CTCTCTACG
601 TAGCAGATC GAGTCTGGT TTATTCGAT ATTACATGGT CTCTCTACG
661 TGGGATGATC AGTGGATGTT TTATTCGAT ATTACATGGT CTCTCTACG
721 TGGGATGATC AGTGGATGTT TTATTCGAT ATTACATGGT CTCTCTACG
841 AAATGGGATG TGGAATGATG TTATTCGAT ATTACATGGT CTCTCTACG
901 TGATCCGATG TTGGAATGATG AGTGGATGTT TTATTCGAT ATTACATGGT CTCTCTACG
961 GCTCTCGTGT GGAAACGAGA GTTACCGATG AGTGGATGTT TTATTCGAT ATTACATGGT
1021 AAAGGAGGATC GGAAACGAGA GTTACCGATG AGTGGATGTT TTATTCGAT ATTACATGGA
1081 AAAGGAGGATC GGAAACGAGA GTTACCGATG AGTGGATGTT TTATTCGAT ATTACATGG
1141 GACTATGCA CGTCACTGGC TTGGGACCCG TTGGGACCCG TTGGGACCCG TTGGGACCCG
1201 TAACTGAGCA CGTCAGGAGC TTGAGATGAG TTGGGACCCG TTGGGACCCG TTGGGACCCG
1261 TGGGAGAGAC CTTCAGGAGC TTGAGATGAG TTGGGACCCG TTGGGACCCG TTGGGACCCG
1321 TGGGAGAGAC CTTCAGGAGC TTGAGATGAG TTGGGACCCG TTGGGACCCG TTGGGACCCG
1381 AAAGGAGGATC GGAAACGAGA GTTACCGATG AGTGGATGTT TTATTCGAT ATTACATGG
1441 AGCTGGATC AGCAGATTCG TTGGGACCCG TTGGGACCCG TTGGGACCCG TTGGGACCCG
1501 GATTTTGGG CTCTCTACAC CTAAATTTG TTGACTCTACG
1561 TTGCAAGAAGA CTTAACTCTG TTGATTCAG CAGTCTCTACG

SEQ. ID. NO. 260

1 MEGATGATGTA AATGTTTLPF EFLNLRLRKP LNUPPGPKW PIGNLNLHGP NLPHRSIHEL
61 GATGTTTLPF GPFSTTUVV ESSMPEKTFL KMSDINFVGR PPKTAAGKTT YNYSIDTNSP
121 YCPYNNRQAR MCJTEFLSTK RLDSEYIRLA EELBSLILHNH NKISGKPIVL KDVYTLTSLN
181 VISRMVLRK EYLDESENFSV NPEPEFKMMD EFLFLNGVLN IGDSPWIFD MHDGGYRMR
241 KVVSXKFLPK LEVHDEHN RRGVENVVA KOMVDFLQG ADDKRLQG ADDKRLQG ADDKRLQ
301 DMLAGTTESS AVTVEWAISE LLLKFLPK ATEELDQGK ELLWVQKQDQI PNLVYEAIV
361 KETRMLHJVA PMLVREKRE DIVKQVQK EKTRVWVW TIGRSPFTMD EPEVFKPERF
421 HEKSIDVKGH DYLFLPFFG EPGCGVSLG LKQYQASIAN LILHGQWMSLP DMNTPEDLNN
481 DEIFGLSTPM KPLFLYIEP RJSPLKLYS

【図131】

FIG. 131

NAME D219A-AC2
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 261

1 ATTCGCTCTT CTCATACATC AGATGGATC CAGTCTTCAGA ATCTACTTGG ATCTCTGCTC
121 CCTGGCTCACG GAAATGATTCG TTATTTGAGA AGTTTACACG ATTTCGCTCT
181 CTTCGCTCACG ATTCGCTCACG AAATTTAGGC AAACGCTATG GTCTCTTGTATC GCACTTAC
241 ATTCGCTCACG ATTCGCTCACG AAACGCTATG GTCTCTTGTATC GCACTTAC
301 ACTCGACAGC TCGCTTGTTC CACTGACAGA AGATCTGTC TGCGGAGCAT CATTCTACATC
361 AGCGATGATC AGCGATGATC AGCGATGATC AGCGATGATC AGCGATGATC AGCGATGATC
421 GCGCTCTCGA AGCGATGATC AGCGATGATC AGCGATGATC AGCGATGATC AGCGATGATC
481 GAGCAAGATG TTGTTGTTACG GAGTCGCTTA ATTGGATAGT CAGCTTGTACG GAGATGATG
601 GGGTGGACAA ACATAATGATC CATTTTATG AGGGATGATC TATCATTTGG AGGGTGGAT
661 ATGATGCTGT ATTTTCTTCG TACATGGAGT AGGGATGATC ATATGGATGG TGCAATGAG
721 ATGATGCTGT ATTTTCTTCG TACATGGAGT AGGGATGATC ATATGGATGG TGCAATGAG
781 AAAGGAGGATC GAGCAGAGAG TAAAGGGAGG AGGGATGATC ATGGGATGATC ATGGGATGATC
841 GTGGTGGATC TAAAGGATGAG GAGGATGATC TTCAATCAGC AGGGATGATC
901 ATCAATACAA TATTAACTCA CAGTCTCTC GCGGATGATC AAAACATCATC GAGCAATATA
961 ATTCGGGATC TAACTGGAAAT GAGTGGAAAT CCAAGTGTGG TACGGAAAGG AGCAAGCTGA
1021 GTGAGCCAG AGAAAGAATG AGTTTCAGG AGATGATGATC TGGATAGCTA
1081 AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC
1141 GTGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC
1201 AGGTCTGATG TAAATGCG TGCAATGGCA CGGAGATCTC AGGGATGATC AGGGATGATC
1261 AGGTCTGATG CAGGAGGATG TGAGAATATG TCTATGATG TGCAATGAG
1321 TTATTCGATC TTGGGATGAG AAGGAGGATG TTCTCTGGAA TTCTATTTGG TTATTCGATC
1381 GTGGACAGC CTTCAGCTCA GTTACCTTGA CACTCTGATG GGAAGCTTCC TGATGAGCA
1441 ATTCGCTCACG ATTCGCTCACG CTCGGATGATC CTCGGATGATC
1501 CTTCATGATC TTGCTACATC TCTGATGATC TGGATGAGA TTCTATGAG
1561 ATTCGCTCACG ATTCGCTCACG AATATTAATAA GTTCTCTGAG TTGCTGATG

SEQ. ID. NO. 262

61 MAMGNSKIA ALIAHLSKIA KAWPBLKHWI INPGRHLSCL RQGLKQHNSL GLYCPKML
121 SPGEYKPII RKLICLLELS ANMVKEFSS RQDELSLMS SIRTHNLPV MLDKDEPFT
181 SNSVIGRSALG KICGQDKLJ IIPMELISIA GGFSLIADFPF TWHMHDIDG SKSLKLWHR
241 KIDELELWN NEHKONPADI KXKGNGEFGZ DLIDVLRLR ESGEVQIYD DNKISLIL
301 MSAGSESTS TTIIWALAEW MKKPVSILAN QAEVSQALK KKISFQEIDT DKLKYLKLV
361 KETLWMPPI VFLVPRECMC DTKLGNYIP FKTRVIVNAW AIGRDFQSWD DPEFSFTPERF
421 ENNSLDFLGN RHOQFIFPGAG KRICPGMLG LANVGQPLAQ LLYHFDWKL P NQGTHQNFDM
481 TESPIOSATR KDLILILNP AHS

【図132】

FIG. 132

NAME D210-BD4
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 263

1 CAGTCGCTT CTCACAGAG AGTCGAACTG CTTCACAGAG CAAATTCGCA GCAATCTGTT
61 AGCAATGATGTA AGTCGAACTG CTTCACAGAG CAAATTCGCA GCAATCTGTT
121 AGCAATGATGTA AGTCGAACTG CTTCACAGAG CAAATTCGCA GCAATCTGTT
181 ATGAGGATATG AGAAAGATG TCAACAAAGTC TCAAGGAAT CAAATCAG
241 ATTCATACAA TCAAGTGGCC CAAAGATCA TTCTCTTATC TTGTTGAAATC ATCCAAATAT
301 ATGTTCAAAAG ATGTTTGTG TGCGCAAGGC CACCCCGCCG CACCCCGCCG CACCCCGCCG
361 ATTTATGAAAG ATGTTTGTG TGCGCAAGGC CACCCCGCCG CACCCCGCCG CACCCCGCCG
421 AGCGATGATC AGCGATGATC AGCGATGATC AGCGATGATC AGCGATGATC AGCGATGATC
481 AGCGATGATC AGCGATGATC AGCGATGATC AGCGATGATC AGCGATGATC AGCGATGATC
541 TTACTTGAG GCTTACTGAG TGCGGAGACA ATGGGATGAG GATTATCCCA CTTACCGAGAT
601 601 TTACTTGAG GCTTACTGAG TGCGGAGACA ATGGGATGAG GATTATCCCA CTTACCGAGAT
661 CTCCTTGTG TACTAGTGC AGAGAAGGAA TGAAACTGAG TGAAACTGAG TGAAACTGAG
721 CTGAGTCAAG TGAGTCAAG TGAGTCAAG TGAGTCAAG TGAGTCAAG TGAGTCAAG
781 AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC
841 ATTCGCTCACG CAGTCTGGC GAGGAGAG AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC
901 TTGGGGATG ATTTATGAG TGAAATCTCA TGAATGATG AGGGATGATC AGGGATGATC
961 TTGGGGATG ATTTATGAG TGAAATCTCA TGAATGATG AGGGATGATC AGGGATGATC
1021 AGGATACATC AGGATACATC AGGATACATC AGGATACATC AGGATACATC AGGATACATC
1081 AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC
1141 GTGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC
1201 CTAATGAGCA TCTGACTGG CAGTCTGGC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC
1261 CTAATGAGCA TCTGACTGG CAGTCTGGC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC
1321 GTGGAGATG AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC
1381 AGGGGAAATG AGGGGAAATG CAAATGAGG TGAGGATGAG CAGGAGCCG
1441 TGGGGATGAG GGGAGCAAA ATGGGATGAG CAGGAGCCG
1501 TCTCCGATC TTAACACAG CTCGATCAGA CTCGATCAGA
1561 CTCCCGATC TTAACACAG CTCGATCAGA CTCGATCAGA

SEQ. ID. NO. 264

1 MGNJNSKIA ALIAHLSKIA KAWPBLKHWI INPGRHLSCL RQGLKQHNSL GLYCPKML
61 TTGGGGATG ATTTATGAG TGAAATCTCA TGAATGATG AGGGATGATC AGGGATGATC
121 AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC AGGGATGATC
181 SNSVIGRSALG KICGQDKLJ IIPMELISIA GGFSLIADFPF TWHMHDIDG SKSLKLWHR
241 ENSVIGRSALG KICGQDKLJ IIPMELISIA GGFSLIADFPF TWHMHDIDG SKSLKLWHR
301 SNSVIEERG NKKFQMSIPE VIEECKLFLYF ASQETTSVLL VVFLILLGRN PENCERAREE
361 VEQAFQSDKX TPEFLYRLK1 VTMILYESLR LYPIATMTR RTNEEFLKLG LDLPKGALLF
421 IPTLILHLDR EINGEDEADEF NPERFSIEGA KATGKMTYF PFGAGFRKCI GQNPFAILEAK
481 MAIAMILQRF SFELSPSITH SPYVUTKPK KTGAPLIMR L

【 义 1 3 3 】

FIG. 133

ORGANISM	D233-AG7
SEQU. ID. NO.	268
1	CCTATTCGG ATGACTCTAA ATGGAAGATT CTTGGGGTTT TCTAGGCTTGTG GCAGGGCTTAT
61	CGTCGTTAAGC TTTCTCTGCTT AAATTAATCA CGTCGGAAGG AGCGGTGTTT CGGAAATATC
121	CACCGGGCTT AACGAACTGGG CTTCCATTCGG GCAATTGTTG CCTATTCGGT CCTATTCAC
181	ATCCATGCTT TGACTCTGTT TCCAAAGATG ATGAGGAGT CCTAGTCGTTG AAATTTGGCT
241	CGAACGGCTT GATCTGCTCT TCTCTGCTG ATTAAGCGAA ACAGCTTAA TTAAAGCTT
301	ATGCTTAATTG CGGGCGCTT GATCTGCTG ATTAAGCGAA ATTAAGCTTAA ACAGCTTAA
361	CGGGCGCTT GATCTGCTG ATTAAGCGAA ATTAAGCTTAA ACAGCTTAA
421	ACGGATTTGTT TACGGGCTAA AGCTTGAGCT CGTCGGAGTA CGTCGGTGTG GAGGAGG
481	AGGGCTTGTT CGTCGGCTT AATTCTGGCTT CGGGAGAAGC TTATTTTCAGG AAAGGACAT
541	TGTCCGGCTT TAGCCCTGGC AGAACGACAA GAGTTGGTCG GAGGCAACAG TATTTCGGT
601	ATTAACCAAGT TGGATAGAA GATTTCGCTG AGCTTGAGA CTAGCTTGTG TTCTAGCTG
661	GGTCTTCAAA TATGGAGAT GATTGTCATC GGGCTGACTG CCTAGGCTT GTCAGGCTC
721	TGAAACAAATG GAAAGCTTGG ATGAGGAGCTT GGGCTGACTG TGGCTGAGCTG
781	ATGAGGAGCTT GGGCTGACTG CTTAGCTTCC GAGCTTCAACT CCTAGTGTG TGTTGTAAG
841	GGCTGAGCTT GGGCTGACTG CTTAGCTTCC GAGCTTCAACT CCTAGTGTG TGTTGTAAG
901	GGTTATATCGA GGTTATCTCA ACTGTGGAGGA CAGATGACTT CCTAGTGTG GGGCAACGG
961	CATTCTTGAAC ACTCTTCTGAA CGAACGGCA TTATGGAGA GGGCAACGGG GAGCTTGACC
1021	GGTATGTTGGG AAAGAGAGGA TTGGTAGAGAA GGGAGCTT CCTAGTGTG TGTTGTAAG
1081	AAGCAACTTCTT CGAACGGAA CCTAAGGCTG ATCTCTGCTG ATCTCTGCTG CCTAGTGTG
1141	GTGCTTGAAG ATGGTGGGTT GGGCTGACTG TGGCTGAGCTG TGGCTGAGCTG
1201	GGCTGAGCTT GGGCTGACTG CTTAGCTTCC GAGCTTCAACT CCTAGTGTG GGGCAACGG
1261	CGGAGAGTGT TTACGACAC GACCTTGTGA TGGCTGAGCTG TAACTTGGCT TTCTTGGCAT
1321	TTGGCTGCGG GGGAGGGG TGGCTGAGCTG ATTAGCTTGG ATTAAGGTT CCTAGGCTA
1381	CATTGACCAAC CATTGTCGAC GGGTAACTCTT GGGCTGACTG TGGAGGTTG AACCGAAGG
1441	ATTAAGTGTG GGAGAACATG TTATGGCTCA CCTAACCTG CCTAGTGTG TTCTTGGCT
1501	CTTGGTAAAGC TGGACTTCTG CCTAGTGTG ATTTCCCGCA CCTAACTTAC CCTAGTGTG

【 四 1 3 5 】

FIG. 13S

```

SEQ. ID. NO. 10
1 MWDHSEPHQ ALQGLLALFWF ELSILQHPLP TSEKLAPEFT CAMPGLIHLR
65 KQHQLVYVPLVQ KQHQLVYVPLVQ KQHQLVYVPLVQ KQHQLVYVPLVQ
121 YASFTYANPGW PXYKNGVQVLAQ LQHVLVYVPLVQ LKHMWVYVPLVQ
181 VNCNSWKFQEL TLNIVTTC RGYKSNLVEE UASERQFRKA FGMVFGVQVQ
241 FKYFPEQGHQ QLMWNYKQWD LSILQWGLVYVPLVQ KHMWVYVPLVQ
301 FGSQNTVQWQ LSLVLLDQGK VVHIVWVYVPLVQ LQHVLVYVPLVQ
361 FQKQHQLVYVPLVQ FQKQHQLVYVPLVQ FQKQHQLVYVPLVQ
421 INSEPEKHFQI NFRTEGSGVNL DARGNQFPEI PFGSLSRSLCP GJLGETRZVH
481 DFKESSTHFQI DMTEGVGQVNL PKVQNVYVPLVQ FTRPLRSKCP LUFPSRHLQZG

```

【 図 1 3 4 】

FIG. 134

【 図 1 3 6 】

FIG. 13C

NAME	D28-AC1	NAME	NUSTITIANA TABACUM		
ORGANISM		SEQ. ID.	NO. 20		
1	AGCGATGAGA ATTTGGACGCA	CTATCTTCAA	TGACAGTAAc	AGCACTTTGT	GCTGCCATAG
61	TAATTACTCTT GTCTGGCTAT	ATATGGACGA	TGCTGAGTCG	GATTGTTGTC	AGGACCAATG
121	AAATTGGCTT GTTGTGAGA	AAACAGGCTT	TGGAAAGGAA	CTTCTTCTTG	AGGAGCTATG
181	GGGACATGAG AAGATTTGCTT	GGTGTGAACT	AGGAAAGGAA	CTTCTTCTTG	AGGAGCTATG
241	CTGTGATGAT AGACCAACAGC	ATGTTGTTCTT	CTTCTTCTTG	AAACCTTCAA	AAATTATGGAT
301	ATGATGATGAT GAGGATGAGA	GGTCGCAAGC	CTTCTTCTTG	GATTTGGATG	CTCTGGCTTA
361	TAATGGAGGT ACCTTCACAA	ATTCATCCAA	AACTTAAAGCT	TGTTGGGAAAT	CTTCTTCTTG
421	CACCTATGAGA AGGAACTGAA	GGCAACCTAT	AGGAGGACAA	TGGGGGAAAT	CTTCTTCTTG
481	TCATCAATCTT CGCTTGTCTAT	CTTACAGGAA	TAATTTGAGG	CTTCTTCTTG	CATAGGATCTG
541	CTGTGATGAT GTGTCGTCAGC	GGTGTGAACT	AAACAGGCTT	CTTCTTCTTG	TCCTGCTGATG
601	TAAGATGAGAT GAGGATGAGA	GGGACATGAG	CTTCTTCTTG	CTTCTTCTTG	ACAGGTTTTG
661	TTTCTGAGAT GAGGATGAGA	GGGACATGAG	CTTCTTCTTG	GGGACATGAG	GGGACATGAG
721	TTGTGGAATG TTTCCGCTCC	GTTTATATCC	CGAGGAGGA	TTTCTTCTTG	GGGACATGAG
781	TAATGGAGATG GAGGAACTGAA	AAAGGGATG	TCCGGCAGTC	TAATTAAGGT	AAACAGGATCT
841	AAAGATGGAG GGGCAATGAA	GGAGGGCTC	GGCAATATGA	GGGACATGAG	AAACAGGATCT
901	TTGGATGAGA TATTAAGATGAA	GGGAGGCTC	GGGAGGCTC	GGGACATGAG	AAACAGGATCT
961	GGGAGGCTC GGGAGGCTC	GGGAGGCTC	GGGAGGCTC	GGGACATGAG	AAACAGGATCT
1021	CTCTCTGGC GTCTCTAGTG	TTTGTGAGCA	GGGTGATCAG	TGGGCAAGCT	AAACAGGATCT
1081	AAAGAACATCTT GGGAACTGTT	GGCAGCTGCG	AAACAGGCTT	TGGGCAAGCT	AAACAGGATCT
1141	AAATATGGTT ATATTGATCTTG	TACATGCTT	TAATGGCTT	TCTCCGATCA	AAACAGGATCT
1201	CCCGCCGGGT TAAATGAGAC	ATTTGATCTT	TAATGGCTT	GGGACATGAG	GGGACATGAG
1261	TCTGCTGCTC ATTTGATCTT	GGGACATGAG	GGGACATGAG	GGGACATGAG	GGGACATGAG
1321	GGGACATGAG GGGACATGAG	GGGACATGAG	GGGACATGAG	GGGACATGAG	GGGACATGAG
1381	TCTCTGCTTCTT GGGATCTT	GGGACATGAG	GGGACATGAG	GGGACATGAG	GGGACATGAG
1441	CAAAAGGGCTG TCTCTGCTTCTT	GGTCTTCTAC	GGTCTTCTAC	GGTCTTCTAC	GGTCTTCTAC
1501	CACTGGCCCTC TGGCTGCTAC	TAATCTCTTC	AACTTCTCTT	TTGGTCTTCA	TTGGTCTTCA
1561	ACAACTATCA ATTTTGATCTAC	TAATCTCTTC	AACTTCTCTT	TTGGTCTTCA	TTGGTCTTCA

【図 1 3 7】

【 図 1 3 8 】

FIG. 137

NAME	D244-B6	NICOTIANA TABACUM
ORGANISM		
SEQ. ID	NO. 273	
1	TCTGATTAATGTTTCTCTAGT	CAGTTCTAGC
61	TATTCTTCCTTCATTTCTAACG	CTCTTCTTGG
121	CTTCTTGGATGTTTCTTCTTCT	TTCTTCTTGG
124	ATATGCTTCTTCTTCTTCTTCT	ATATGCTTCT
241	ATTTGGCGCTTCTGGCGCTTCT	ATATGGCGCC
301	CTTATGTTGTTCTGCAACATCT	GGGAAAGCAGC
361	CTTGTGCTGGCAGAACCTCTCT	CTTGTGCTGG
421	TACTTACGTTTATTTGTTGCT	CTTATTTATTA
481	CTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCT	CTCTTCTTCT
541	CTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCT	CTTCTTCTTCT
601	TAATTTGTTTGTGAACTTACG	CTTTATACAT
661	TASCGACACTAAGGAGGAGTC	AGAGGAGGAC
721	TTTTGTGTTGTTGGCGGATTT	ACAGCTTCTG
781	TTGGATTTGTTGCTGTCATCT	ATTTGTTGATG
841	TAACGGGGGGGGGGGGGGGGGG	CGACANTTC
901	GGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG	TCCTCCATTT
961	GGCCACTCTGCTTACAGCTGCA	TCAGCTGCTG
1021	TGGTCTTACATTTATGGTTG	TTTGTGCTTAT
1081	CCAGAGAGAGATTTATGATGCA	AGTGGGTTTA
1141	AAATTGTTCTGTTCTTCTTCT	CTTCTTCTTCT
1201	CTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCT	CTTCTTCTTCT
1261	AGCTACTGCTCTTATTTATGCA	AGCTCTGCTG
1321	GGCCGGGGGGGGGGGGGGGGGG	AGTACAGCTA
1381	TCTGAAATTCTTGTGAACTTAC	GGTACAGCTA
1441	TGGCAGCTTCTGAGGACACATC	TCAGCTTCTG
1501	GGCTATTTCTTCTTCTTCTTCT	TCAGCTTCTG
1561	GGCTATTTCTTCTTCTTCTTCT	TCAGCTTCTG
1621	TAATTTGTTGTTGTTGTTGTT	TCAGCTTCTG

SEO 1

【図 1 3 9】

【 図 1 4 0 】

FIG. 139

SEQ. ID

FIG. 140

NAME D101-BA2
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SER. NO. 272

1 CTAATTTCTTA TATGACCTTTA
 61 CCAACAGAA CCACTTGTAGG
 121 AAAACACAT CAAATTTTCTT
 181 ATGGCGCCTA TCTTTTATT
 241 CTGGGCTCCTA TACGGGCT
 301 ATGGGCTTCTA TCTGGGCT
 361 TTGGCCCTCA GGGCCCTT
 421 CGCTGTGCTCA AATGAGGGCC
 481 CTCCTCGGTT GTGCGCTGCA
 541 ATTAAAGCA TATTTAATGTC
 601 GTATGAACTA CTTCGGCTAC
 661 GATGATGCTA GGGCTTCACT
 721 CTCCTGANG TTTTCCTTCT
 781 GCTGAGAAC AATTCCTTCA
 841 ATTAAAGCA GAGAACAAA
 901 GCTGCTTCA AGATGAGGCA
 961 AAGGGCTTCA TATTTTCTTCA
 1021 GATGATGCTA GGGCTTCACT
 1081 GCAACATG TTTGGAGAA
 1141 CTTCAGCAA TTGTAAAGA
 1201 CACCTATCTG TGGAGAGATG
 1261 CTTCACATCA TTATGAAAC
 1321 GATGATGCTA GGGCTTCACT
 1381 GCTGCTTCTC AGTGGCGG
 1441 GACACCTTC CAATGCTGCA
 1501 CCTTGGTAA GAGAACAGG
 1561 CTAATTTCTTA CTCGGTT

SEQ. ID. NO. 280

SEQ. 12
1 MVVLLSIEA IVGEGTFPSL FPLYKTMKPS KLNLPWPKC FGVPPVIGH FYKVNQNGGD
61 HRFSCQKLGLD ADLGGPVYKPS RFLGRPLRFLV SYSEAMKPCF TTNDHIVLPS FGYWPEGLC
121 YNNALWVAKL YGGWYKNNRKS INQVQSLPS LREKFKFVRE SIQJNQKLG NQYNSCPMVK
181 HNSDWWIDLAKT EDIILRQVGS NQHNGCNGES LVAQFVKCPW FQHJFVWQH FIPFPEKWLQD
241 LTGNKMKRQ FDNHDLIQK GMWDLHKKR ETDVKGZGE QDFIVDLSW NSDEHLLGQY
301 SHDTTICKAR FFLVLDNPTA LAKLWVKA MNNKRNKKQ KEMQEMOTIV HGRNWEED
361 RKLWVLLQAC RVEFLRHLPE APLVQSLWPS EDCVCGWPS KRGTLATLH MNLGRDQPCW
421 PNFDPREDER FLLTHATIDY QNGRQLEIFP GJ7GRACCPM NLSQYVLSLPS IAMEH
481

【図141】

FIG. 141

NAME D130-AD1
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 281

1 CTGGCTTCG CCGAAGACG GGTCTTCCG CTTTGTCCCA AAAATGGATC TTTCTTCTATC
61 GAGAGAGCTC TAATAGATC TTTCTTCTC CTTTGTCCG GGTCTTCCG TCTCTGAGCT
121 TGTCTCAAGG CTTTCTTCTC TTCCCCCAGG BCCATTCGGG GTTACCGAGTT TTTGGTAAATG
181 GCTCTTCTTC TTGTTAGAGA TGGGGCAGG TAAATCTTACT GTTGTGTCAT CTCCTGAAATT
241 TGTCTTCTTC TTGTTAGAGA TGGGGCAGG TAAATCTTACT GTTGTGTCAT CTCCTGAAATT
301 AGCTAAAGAG GTTCTTACAA CACAAGGTG TGAATTTGGT TCAAGACAA GAAATCTG
361 ATTGGATATG TTTCTGAGA TAAATCTGAGA TAAATCTGAGA TAAATCTGAGA TAAATCTGAGA
421 GAGAGAGGGG TGGGGTGG TGGGGTGG TGGGGTGG TGGGGTGG TGGGGTGG
481 AGCTGGGGGG TGGGGTGG TGGGGTGG TGGGGTGG TGGGGTGG TGGGGTGG
541 ATTCTTCTACT ATTGGGATG TATWAAAGGG GAGATACAA TTTGTGATGTT ATATAAATAT
601 TAAGCTTCTG ATTGGGATG TGGAGATG GAGTGGAGAT TGGCTCAGAT TTGATGAGCT
661 TAAGCTTCTG ATTGGGATG TGGAGATG GAGTGGAGAT TGGCTCAGAT TTGATGAGCT
721 TTTGGCTTCTG ATTGGGATG CTTGGCTTCTG ATTGGGATG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
781 TTTGGCTTCTG ATTGGGATG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
841 TTTGGCTTCTG ATTGGGATG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
901 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGCAGT TCTTACATTG GTTACCTGGG TCAATGTTGC
961 TGTCTTCTAAGG CAAACATTTG GTGCAATTG GTGGGGTGG TGGGGTGG
1021 TCACTCTCAAA AGAAACATCA GGGGGCAGA TGACAGAGTT CTTGGGGCAGG GAGTGCAAGT
1081 GACTGACCAAG GACACCCACA CTTGGGGTGG TGGGGTGG TGGGGTGG
1141 TGTCTTCTAAGG CAAACATTTG GTGCAATTG GTGGGGTGG TGGGGTGG
1201 AGCTGGGGGG ATTGGGATG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1261 CCGGGCTCAT ATTGGGATG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1321 GCACGTTGAG GCAATGGCA ATTGACTTCAG ATATCTTCGG TTTGGGCTTGT GTAGGAGGAG
1381 TTGGCTTCTG ATTACTATG CTTGGGCTTGT GTAGGAGGAG

SEQ. ID. NO. 282

1 MLLLEKTLT IGLFFALLIA VIVSRSLRSR KFLPPGPIPV PFPGNWLQVG DDLNLRNLLTD
61 FAKKPGDPL LRMQGRNLIVV VSSPELAKVE LHTQGVERES RTTRNVEFIDT TKGQDMDVET
121 VYGEHWRNRM RIMTVPFTN KVQVQVRGM EFEVAVSIEV VKNPFESEATH GIVLRLRQL
181 MYNNHMRIM FDRFESEEDD PLFVKLKAL GERSRLQSF LRFIFGTYK
241 ICKEVKEKRL QLKFDFYDV ERLKLSNTE DSEVSEVSEVSEVSEVSEVSEVSEVSEVSEVSEVSEV
301 TCTCTGCTG ATTGGGATG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
361 IKETRLRMLV IFLVPHML HDAKLGFGDI PAESKILVNA WMLANLPNIN KKPESFPR
421 FTEKEHVB A GNDPEFLYFV GVRSSRCPT LILALPILGT LGR

【図142】

FIG. 142

NAME D136-AD5
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 282

1 CCGATTTAGA GCGAAGAATC ARCAAGCTCA GTTACCTCTC CCGTTTTAA GAGTATTAA
61 GRTTGTAGT TTAGATGAA GCAACTGAGG TAAGGCTCTT CAAGGAGTG TTTGCACTC
121 TGAGATGAGT TTAGATGAA GCAACTGAGG TAAGGCTCTT CAAGGAGTG TTTGCACTC
181 ATACATGGAA AGTGTGGAT TGGGCTTGGT TTGGGGCTAA GAATGCTTAA
241 GACAGAGGGG TCTCAAGGG AAGGACAGT TCAAGACAA GAAATCTG
301 CHAATGAGGAA ATXATGAGGAA TAAATGAGGAA TAAATGAGGAA TAAATGAGGAA
361 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
421 TTGGGGCTTA TCCAAATGTT GTGATCAGG TAACTGAGCA TTAAAGGGAG TTGTTTCAAA
481 AGATTTATGT GTATCAGGAG CAACATCATC CCATCCATA CGCCGACGCA TTGACTCAG
541 GTCTCTTCAG CTTGGGAGGA GACAATGGG CGAACACAGA AAAATCTG AGTCTCTCT
601 TCCATCTGCA GAACTGAAAG GATGCTGAGC TTGACTTCTG AGTCTCTCT
661 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
721 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
781 AAGGAGAGAT AGTGTGGAA CTTCAGAAAGG AACAGCTGCA TTGATCTTAA
841 GTTCACTTAA TAACTCAGG TCAACAGTCA AGTGTGGAA ATGAGCTG
901 AAATCTGAAAGA AGCAATGCA ACACAACTAA GGGGTTATCA CGACAAAGAG TTGAGCTGG
961 TGGAAGAAGG GGGGAGCTG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1021 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1081 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1141 TGAGTGTGGT GTGCTTACAT GTGAGTGGC AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1201 CTTCTGGAAA TGATTAACCA CTTGGGAGG GACTAAGCTC TTGAACTATG
1261 TCTTGGGAGG GACTAAGCTC TTGAACTATG CTTGGGAGG GACTAAGCTC
1321 AAAGGAAACTT CTTGGGAGG GACTAAGCTC TTGAACTATG CTTGGGAGG GACTAAGCTC
1381 CTATGCTGCA ATTGGGATG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1441 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1501 CCCTTGGAAA TGATTAACCA CTTGGGAGG GACTAAGCTC TTGAACTATG
1561 CTATGCTGCA ATTGGGATG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1621 CTTCTGGAAA TGATTAACCA CTTGGGAGG GACTAAGCTC TTGAACTATG
1681 TATGTTGCTG ATATTAACCA TGATGTTGCTG TTTGGGCTT CTTGTTTCC AAG

SEQ. ID. NO. 284

1 MEMMYSITIA ASIAIILYVW WKVJNWNMFG PKHMKCLRQ RGLKGNPYKL LYGDNLNLTK
61 SIIERAKSFI NFSDIAQRI IPEFELDAJNK NGKNSFWLW PFPVFLITDP EHHLKEIFTK
121 VYVQKQTHPEN FYAKLNLHGI VSLBDRNWK HRIISPAF VEHKHPA FVLS
181 KVKVKEKREI SIIERAKSFI QINTSHWVWVWVWVWVWVWVWVWVWVWVWVWVWVWVWV
241 TTTGGGGGGG TTTGGGGGGG TTTGGGGGGG TTTGGGGGGG TTTGGGGGGG
301 TTTGGGGGGG TTTGGGGGGG TTTGGGGGGG TTTGGGGGGG TTTGGGGGGG
361 CCCCCCTGGG GTTATGTTGG AGGCAAAAGG GAAATTTT TCTCTGGAA TTGGCTAGT
421 CCCCCATGGG TTTGGGGGGG TTTGGGGGGG TTTGGGGGGG TTTGGGGGGG
481 AGCTCTGAGA CAGCTTACAG AGCTTCTGAG AGCTTCTGAG AGCTTCTGAG
541 AGCTCTGAGA CAGCTTACAG AGCTTCTGAG AGCTTCTGAG AGCTTCTGAG
601 CAACTAGAA TAAATGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
661 TCAATGAGT TTCTCTGGT GTCTCTGGT AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
721 GAGTTGAGT CAACTCTGGT AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
781 AAATTAATG AGTATGGGG TGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
841 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
901 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
961 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1021 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1081 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1141 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1201 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1261 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1321 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1381 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1441 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1501 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1561 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1621 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1681 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1741 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1801 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1861 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1921 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1981 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
2041 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
2101 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
2161 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
2221 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
2281 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
2341 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
2401 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
2461 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
2521 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
2581 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
2641 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
2701 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
2761 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
2821 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
2881 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
2941 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
3001 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
3061 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
3121 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
3181 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
3241 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
3301 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
3361 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
3421 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
3481 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
3541 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
3601 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
3661 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
3721 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
3781 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
3841 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
3901 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
3961 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
4021 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
4081 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
4141 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
4201 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
4261 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
4321 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
4381 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
4441 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
4501 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
4561 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
4621 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
4681 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
4741 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
4801 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
4861 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
4921 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
4981 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
5041 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
5101 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
5161 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
5221 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
5281 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
5341 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
5401 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
5461 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
5521 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
5581 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
5641 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
5701 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
5761 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
5821 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
5881 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
5941 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
6001 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
6061 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
6121 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
6181 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
6241 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
6301 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
6361 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
6431 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
6491 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
6551 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
6611 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
6671 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
6731 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
6791 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
6851 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
6911 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
6971 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
7031 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
7091 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
7151 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
7211 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
7271 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
7331 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
7391 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
7451 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
7511 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
7571 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
7631 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
7691 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
7751 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
7811 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
7871 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
7931 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
7991 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
8051 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
8111 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
8171 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
8231 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
8291 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
8351 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
8411 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
8471 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
8531 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
8591 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
8651 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
8711 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
8771 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
8831 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
8891 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
8951 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
9011 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
9071 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
9131 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
9191 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
9251 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
9311 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
9371 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
9431 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
9491 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
9551 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
9611 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
9671 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
9731 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
9791 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
9851 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
9911 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
1001 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
10071 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
10131 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
10191 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
10251 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
10311 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
10371 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
10431 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
10491 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
10551 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
10611 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
10671 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
10731 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
10791 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
10851 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
10911 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
10971 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
11031 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
11091 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
11151 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
11211 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
11271 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
11331 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
11391 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
11451 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
11511 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
11571 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
11631 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
11691 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
11751 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
11811 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
11871 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
11931 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
11991 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
12051 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
12111 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
12171 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
12231 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
12291 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
12351 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
12411 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
12471 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
12531 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
12591 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
12651 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
12711 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
12771 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
12831 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
12891 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
12951 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
13011 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
13071 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
13131 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
13191 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
13251 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
13311 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
13371 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
13431 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
13491 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
13551 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGTGTTTGGT AGGTGTTTGGT
13611 AGCTGGGGGG GAGATCAGG TGGGGGAGG AGGT

【 义 1 4 5 】

【 図 1 4 6 】

FIG. 145

1 MDDLL
61 YAKKFO
121 VYGEHW
181 MMYNNM
241 DL

図 1 4 7 】

【図148】

FIG. 147

SEQ. ID. NO. 294

1 MENCYSGYPS SFYFLGLAYVE L1P1LWVKFY 6HRRNLPLPSP FNLPTVIGHD
61 TSLSAKYGVS VVJSSSESSV ECLTKNDIPI ANSPRFLGHD KFTVNTYNTV
61 TSLSAKYGVS VVJSSSESSV ECLTKNDIPI ANSPRFLGHD KFTVNTYNTV
121 WAPYQGOLWRI LRJLUTVLFLE SWSHLSOKTE LDQWVAFI STLQWVAFI RSLQWVAFI
211 FFLVNMKLNW LIAJLHRYKIE GEKKEGKIE L1KJLHRYKIE VTSFSPMCD
211 FFLVNMKLNW LIAJLHRYKIE GEKKEGKIE L1KJLHRYKIE VTSFSPMCD
301 EPTDYLWLLX DLUVWVLLX SASTHJLX WMEKTCJLX KLSVJLQSLNE
361 SUDLMPLKYLX CVVWNTMELX TPLTLLHJLX STKOCVTCYV DRTKTCYV
421 VHEEFDKPFK ERFERAEATG ERENYKQWVW GMGRGFCPAVW GMGRGFCPAVW
481 QIEEADSEEE SYNSRNTQNM KPLKWCPTFR EGDGLQHLSL

NAME D267-AF10
ORGANISM NICOTIANA TABACUM

ORGANISM	NICOTIANA TABACUM
SPC. ID.	
100	ATGGCTCTTCG CTTCTTCTCA AAAATGGAGC
101	ATGGCTCTTCG CTTCTTCTCA AAAATGGAGC
61	TGGTCCTCTTCG CTTCTTCTCA AAAATGGAGC
121	AGTGGCTCTTCG CTTCTTCTCA AAAATGGAGC
122	AGTGGCTCTTCG CTTCTTCTCA AAAATGGAGC
123	AGTGGCTCTTCG CTTCTTCTCA AAAATGGAGC
124	AGTGGCTCTTCG CTTCTTCTCA AAAATGGAGC
304	AGTGGCTCTTCG CTTCTTCTCA AAAATGGAGC
361	ACACAGACGCG GAGCACTTCG TTTGGCCCAA
421	TATTTGATTCG GGAACATTCG ACCGACCAA
422	TATTTGATTCG GGAACATTCG ACCGACCAA
481	ATGAGGCTTCG GAGGCCTTCG AGCTGGATTCG
541	ATGAGGCTTCG TCTCTTCTCA AGCTGGATTCG
601	GGCTCTTCG CTTCTTCTCA AAAATGGAGC
661	GGCTCTTCG TGGATGCTTCG CTTCTTCTCA AAAATGGAGC
721	CTTAGGTCTTCG GAGGACACAC GAACTTATGG
781	ACCGAACAGAA TCTGGACGACA GCGGATTAAG
841	TGGCTCTTCG ACTGGCTGGC AGCTGGATTCG
901	AGCTGGCTTCG AGCTGGATTCG CTTCTTCTCA AAAATGGAGC
1021	AGCTGGCTTCG AGCTTATCGA TGTATGATTCG
1081	CATACATACAA TCTGGATTCG AAGAACAGAA
1141	GGCCGTGAGAA ATGGCAGGAC GAAACAGAA
1201	GGATGGTCTTCG TTTGGCTTGG AAGAACAGAA
1261	GGATGGTCTTCG TTTGGCTTGG AAGAACAGAA
1321	GGATGGTCTTCG CCGGTGAGAA GAAACAGAA
1381	CAGGGCCATTCG TTGGGGCCAA TCTGGCTTCA
1441	ATGGCAATTCG TCTGGCTGACG AATGGACAA
1501	TCTGATCTTCG TCTGGCTGACG AATGGACAA
1561	AGAGAGAGAGA GAGAGAGAGC GATGGATTCG
1621	TTCTTCTCA AGACGACATAC TTTATATTCG
	TTTTTTTTAA AAA

SEQ. ID. NO. 296
1 MELOSSPFNL ISLFL

【図149】

FIG. 149

NAME D284-AM5
ORGANISM NICOTIANA TABACUM
SEQ. ID. NO. 1

1 CAACTGAGTGG ATGCCGAGT ATTAATATAT ATGCCAAGTT TAGAAGAGA AAAAAAAT
61 CAACTGAGTCA TTCTTACTCTT GGGCACAAAT AGTGAGTGA AATGGGAGCT GTTCGATCA
121 TAAACACAGC ATCTTGTGCTC GCGTAAATAA TAATCTCTAGT GTGTTGTATT TGGAGAGTAC
181 TGAATTGGGT TTGGCTCAGA CCAAGAACG TTGGAAAAGT ATTTGGAAAGA CAAAGCTCTCA
241 AAAGCAACTC CTAAACAGATT TTGTAGGGG ATATAGAGGA GCTTCTCTGT ATGNTTAAAGG
301 AAAGCTTATTC CAAAGGAAATG CAAAGGAAATG ATGATGATGAGA GATGATGAGA
361 AAAGCTTATTC CAAAGGAAATG CAAAGGAAATG ATGATGATGAGA GCTGAGGAGC
421 TGGCTCTTCA CAAAGGACCC GAGCTTATAA AGGAAATATT TTCCAAATATC TATCTGTATC
481 AAAAGCCTCA TGGAAATCC CTTAACACAGC TATTGAGTACA AGGACTAGTA AGGCTGAGG
541 AAAGCAAAATC GGCACAAACAT AGAAAATCA TCAATCCAGC TTTCATCTCA GAGAAGCTAA
601 AGGATATCTC TCCAGCTTCTT TTGTTGAGCTC GCACTGAGNC GCTGTCGATCA TGGAGAGATA
661 GCTGAGTCTT CAAAGGCTATC TAAAGGAGCTC CAAAGGAGCTC GCTGAGTCTT CAAAGGAGATA
721 GCTGAGTCTT CAAAGGCTATC TAAAGGAGCTC CAAAGGAGCTC GCTGAGTCTT CAAAGGAGATA
781 AAACCTAGAA GGACAGACGT CAGATTATTG TAGAAGCTATC AGCGCTCGGT TATATACAGC
841 GCTGAGGAGTT TTGGCCACAA AGAGGAACAA AGAAGATGGA GGAAGATGGA AAAGAGATGTC
901 GGGCCCTCGAT AAAGGAGATT ATTGATATAAAG GAGTGAAGGA ATAGAAGAAC GGAAGAGGCCA
961 GTAATGCGA TCTACTTGTG ATATTTGTTG ATCTCTATTC TACAGAGGAGA GAGACAGATA
1021 GAAAGCTTATTC CAAAGGAAATG CAAAGGAAATG ATGATGATGAGA GCTGAGGAGC
1081 TGGCTGCGCA AAAGCTTATTC CAAAGGAAATG CAAAGGAAATG ATGATGATGAGA GCTGAGGAGC
1141 ATCAGAGTTG CCAAGGCGCA GCGAGAGAGA AGGTGTTTCA AGTCTTGTG AATCAGAAAC
1201 CAACTGAGTCA CAAAGGCTATC TAAAGGAGCTC CAAAGGAGCTC GCTGAGTCTT CAAAGGAGATA
1261 GCTGAGTCTT CCAAGGCTATC TAAAGGAGCTC CAAAGGAGCTC GCTGAGTCTT CAAAGGAGATA
1322 ATGATATCTC CAAAGGAGCTC GCTGAGTCTT CAAAGGAGCTC GCTGAGTCTT CAAAGGAGATA
1382 ATGATATCTC CAAAGGAGCTC GCTGAGTCTT CAAAGGAGCTC GCTGAGTCTT CAAAGGAGATA
1441 CAAGTCGAC AGAGGAGCTA GCACTTCTT TTCCATTCTAC TTGGGGTCC AGGAGATGCA
1501 TGGCTGCGCA AAAGCTTATTC CAAAGGAAATG CAAAGGAGCTT GCTGATGATC CTGAGAGCT
1561 TCTCATCTGA ACTGTTCTCA CTTATGCAAT ATGCTCTCTC GCTGATGATC ATGATGATC
1622 CCCACATGG CCACTGCACTA CAAAGTGGCA AAAATATGTTA ATTAAAGGCTT GTGATCTTA AGCAGTGTCT
1681 TGGCTGCGCA AAAGCTTATTC CAAAGGAGCTA GCACTTCTAC TTGGGGTCC AGGAGATGCA
1741 TGGCTGCGCA AAAGCTTATTC CAAAGGAGCTA GCACTTCTAC TTGGGGTCC AGGAGATGCA
1801 AGTCTTGTAGA BAAAGAGAGA

SEQ. ID. NO. 298

1 MEGVYIILPA SCAALIYHV VGYMEVNLVW VEFVKGKSLH LKQDQLEKNS YKILYDVKRKE
82 GCTGAGTCTT CAAAGGAGCTC GCTGAGTCTT CAAAGGAGCTC GCTGAGTCTT CAAAGGAGATA
122 SKYLYDVKH GNPVTKLILVQ GUUSLEEDWW ANDRKLINDP FHLKQDVKH
181 LCKWEIDVSI KGSHEIDWV HQLQSLSSDV1 SRTAPGSNPE EGNKTFELQK EDQYVVEAL
241 RSVTIPGWRF LPTKRNRRM EKEVKRASI RGIIQKRVKA MKAGAESEASD LIGLILLESNE
301 TEAEQHHRD SAMSIIEEVIO ECKLFTVYAGQ ETTSVLLWVT LLLSRHQW QSRAREEVFG
361 VFGNQKEDPF GILNRLKVTM ILYESLRLYS PVVSLIRRN EDALIGNVLS PEGVLLSLPV
421 ILLHHRDEEW GRDKRKENFE RFRDGVSAT KQGTFVFFFPT WGPRCIGON FAMLEAKTAL
481 AMILQRFSPF LSPQSYAHAPQ SILTQKFQHG AFLILHKI

【図150-1】

Figure 150: グループメンバーのアミノ酸同一性

グループ 1
AQALAINLVTSMLGHLLHHFTWAPAPGVNPEDIDEELLESPFGTVTYMKNPQIAIPTPRLPAHLYGRVFDMD SEQ ID No.:2 D56-BG7
AQALAINLVTSMLGHLLHHFTWAPAPGVNPENIDLESPFGTVTYMKNPQIAIPTPRLPAHLYGRVFDMD SEQ ID No.:4 D56-AB1
(98.5)

グループ 2
QIAINJVTSMGLHLLFII1NLQRLRPGLTRRI7WRALEQ SEQ ID No.:8 D56-BE4

グループ 3
EGLAVRMVALSICLIIQCFDWQRIGEELVMDTEGTGLTPKAQPLVAKCSPRFMAMNLLSQI SEQ ID No.:10 D56-AH7
EGLAIRMVALSICLIIQCFDWQRIGEELVMDTEGTGLTPKAQPLVAKCSPRFMAMNLLSQI SEQ ID No.:12 D13a-5
(93.5)

グループ 4
IGFALVLTHTLFTGRLLQGDFPSNTPIMDTEGVGVTLFVKVNVQEVLIPRPLPSKLVYLF SEQ ID No.:14 D56-AG10
INFATVLTHTLFTGRLLQGDFPSNTPIMDTEGVGVTLFVKVNVQEVLIPRPLPSKLVYLF SEQ ID No.:18 D34-62
(93.3)

グループ 5
IIIALPELIGITLGRLVQNFEELLPPPSQSKLDTTEKGGQFLSHILKHSTIVLKPRSF SEQ ID No.:20 D56-AA7
IIIALPELIGITLGRLVQNFEELLPPPSQSKLDTTEKGGQFLSHILKHSTIVLKPRSF SEQ ID No.:144 D105-BD3
(98.2)

IIIALPELIGITLGRLVQNFEELLPPPSQSKLDTTEKGGQFLSHILKHSTIVLKPRSF SEQ ID No.:22 D56-AE1
(96.4)

グループ 6
IALGVASMEALSNLILYAFDWELPPGMKEDIDTNARPGITIMHKNNELYLIPNVL SEQ ID No.:24 D56-BB7
IALGVASMEALSNLILYAFDWELPPGMKEDIDTNARPGITIMHKNNELYLIPNVL SEQ ID No.:26 D177-BAT
(92.8)

IALGVASMEALSNLILYAFDWELPPGMKEDIDTNARPGITIMHKNNELYLIPNVL SEQ ID No.:28 D56-AE6
(94.6)

IALGVASMEALSNLILYAFDWELPPGMKEDIDTNARPGITIMHKNNELYLIPNVL SEQ ID No.:30 D144-AE2
(94.6)

グループ 7
ISFGLANAYLPLQIQLYHFDWELPPGKPSLDLDTTELVGVTAARKSDLYLVATPYPQFPQW SEQ ID No.:32 D56-AG11
ISFGLANAYLPLQIQLYHFDWELPPGKPSLDLDTTELVGVTAARKSDLYLVATPYPQFPQW SEQ ID No.:34 D179-AA1
(93.3)

ISFGLANAYLPLQIQLYHFDWELPPGKPSLDLDTTELVGVTAARKSDLYLVATPYPQFPQW SEQ ID No.:36 D56-AG7
(91.2)

ISFGLANAYLPLQIQLYHFDWELPPGKPSLDLDTTELVGVTAARKSDLYLVATPYPQFPQW SEQ ID No.:38 D144-AD1
(91.2)

グループ 8
MLFGLANVQGQPLQIQLYHFDWELPPGKPSLDLDTTELVGVTAARKSDLYLVATPYPQFPQW SEQ ID No.:36 D56-AG7
(91.2)

MLFGLANVQGQPLQIQLYHFDWELPPGKPSLDLDTTELVGVTAARKSDLYLVATPYPQFPQW SEQ ID No.:38 D144-AD1
(91.2)

【図150-2】

グループ 9
MLFGLANVQGQPLQIQLYHFDWELPPGKPSLDLDTTELVGVTAARKSDLYLVATPYPQFPQW SEQ ID No.:40 D144-AB5

グループ 10
MLFGLANVQGQPLQIQLYHFDWELPPGKPSLDLDTTELVGVTAARKSDLYLVATPYPQFPQW SEQ ID No.:42 D181-AB5
(98.8)

MLFGLANVQGQPLQIQLYHFDWELPPGKPSLDLDTTELVGVTAARKSDLYLVATPYPQFPQW SEQ ID No.:44 D56-AB6

グループ 11
MLFGLANVQGQPLQIQLYHFDWELPPGKPSLDLDTTELVGVTAARKSDLYLVATPYPQFPQW SEQ ID No.:46 D56-AC12

MLFGLANVQGQPLQIQLYHFDWELPPGKPSLDLDTTELVGVTAARKSDLYLVATPYPQFPQW SEQ ID No.:48 D56-AB5
(98.3)

MLFGLANVQGQPLQIQLYHFDWELPPGKPSLDLDTTELVGVTAARKSDLYLVATPYPQFPQW SEQ ID No.:50 D56-AB6
(98.3)

MLFGLANVQGQPLQIQLYHFDWELPPGKPSLDLDTTELVGVTAARKSDLYLVATPYPQFPQW SEQ ID No.:52 D56-AB6
(98.3)

MLFGLANVQGQPLQIQLYHFDWELPPGKPSLDLDTTELVGVTAARKSDLYLVATPYPQFPQW SEQ ID No.:54 D56-AB6
(98.3)

MLFGLANVQGQPLQIQLYHFDWELPPGKPSLDLDTTELVGVTAARKSDLYLVATPYPQFPQW SEQ ID No.:56 D56-AB6
(98.3)

MLFGLANVQGQPLQIQLYHFDWELPPGKPSLDLDTTELVGVTAARKSDLYLVATPYPQFPQW SEQ ID No.:58 D35-BA3
(98.3)

MLFGLANVQGQPLQIQLYHFDWELPPGKPSLDLDTTELVGVTAARKSDLYLVATPYPQFPQW SEQ ID No.:60 D34-57
(98.3)

MLFGLANVQGQPLQIQLYHFDWELPPGKPSLDLDTTELVGVTAARKSDLYLVATPYPQFPQW SEQ ID No.:62 D34-52
(98.3)

MLFGLANVQGQPLQIQLYHFDWELPPGKPSLDLDTTELVGVTAARKSDLYLVATPYPQFPQW SEQ ID No.:64 D34-52
(98.3)

MLFGLANVQGQPLQIQLYHFDWELPPGKPSLDLDTTELVGVTAARKSDLYLVATPYPQFPQW SEQ ID No.:66 D56-AD10
(98.3)

グループ 13
YSLGLKRVIRATLNLHGFNWLKLPKGKPEGNKPEDISVEEHYGLTTHPKVVALDVMEPRLENHLYK SEQ ID No.:68 D56-AA1

グループ 14
YSLGLKRVIRATLNLHGFNWLKLPKGKPEGNKPEDISVEEHYGLTTHPKVVALDVMEPRLENHLYK SEQ ID No.:69 D56-AA1

グループ 15
INFSPFLVPLALANLFLHYNWSPLEGMLAKDVMEEALGITMHHKSLCIVASHYTC SEQ ID No.:70 D177-BD5
(94.7)

INFSPFLVPLALANLFLHYNWSPLEGMLAKDVMEEALGITMHHKSLCIVASHYTC SEQ ID No.:84 D177-BD7

グループ 16
MQGLYALEMAVANHLLCPTWELPDGMKPSLKMDDIFGLTAPRANRIVAVPSPRLCPLY SEQ ID No.:74 D56-BC3
(96.7)

MQGLYALEMAVANHLLCPTWELPDGMKPSLKMDDIFGLTAPRANRIVAVPSPRLCPLY SEQ ID No.:76 D56-AD12
(98.4)

MQGLYALEMAVANHLLCPTWELPDGMKPSLKMDDIFGLTAPRANRIVAVPSPRLCPLY SEQ ID No.:72 D56-AG10

グループ 17
MLWSASIVRVSYLTCTIYRFQVYAGSVRVA SEQ ID No.:78 D56-BE1

【図150-3】

MLWSASIVRVSYLTCTIYRFQVYAGSVRVA

SEQ ID No.:88 D56-AD6F
(96.7)

INFAFMLEALSNLILQHLYAFELSPSPSYAHAPHTIITLQPKQHAPLILRKL

SEQ ID No.:190 D73A-AD6

ONFAFLEALSNLILQHLYAFELSPSPSYAHAPHTIITLQPKQHAPLILRKL

SEQ ID No.:96 D70A-AB5
(72.0)

ONFAFLEALSNLILQHLYAFELSPSPSYAHAPHTIITLQPKQHAPLILRKL

SEQ ID No.:100 D70A-AB5
(82.0)

INFAFLEALSNLILQHLYAFELSPSPSYAHAPHTIITLQPKQHAPLILRKL

SEQ ID No.:102 D70A-AB5
(98.0)

ONFAFLEALSNLILQHLYAFELSPSPSYAHAPHTIITLQPKQHAPLILRKL

SEQ ID No.:104 D70A-AB4
(70.0)

ONFAFLEALSNLILQHLYAFELSPSPSYAHAPHTIITLQPKQHAPLILRKL

SEQ ID No.:108 D70A-AB9
(98.0)

ONFAFLEALSNLILQHLYAFELSPSPSYAHAPHTIITLQPKQHAPLILRKL

SEQ ID No.:106 D70A-BA1

ONFAFLEALSNLILQHLYAFELSPSPSYAHAPHTIITLQPKQHAPLILRKL

SEQ ID No.:110 D70A-AD4

YSGMGKAQIAQASLNLHGFNWLSPDNMTPEIDLNMDIEFGLSTPKKFLPLATVIEPRLSPKLVY

SEQ ID No.:112 D181-AC5
(96.8)

YSGMGKAQIAQASLNLHGFNWLSPDNMTPEIDLNMDIEFGLSTPKKFLPLATVIEPRLSPKLVY

SEQ ID No.:114 D144-AB1
(96.8)

YSGMGKAQIAQASLNLHGFNWLSPDNMTPEIDLNMDIEFGLSTPKKFLPLATVIEPRLSPKLVY

SEQ ID No.:116 D34-65
(96.8)

YSGMGKAQIAQASLNLHGFNWLSPDNMTPEIDLNMDIEFGLSTPKKFLPLATVIEPRLSPKLVY

SEQ ID No.:118 D35-BG2
(96.8)

LCPCFLCLSSYIILALNVNVLHYHNFNLQISPSISY

SEQ ID No.:119 D35-BG2

SGIAQCVGVLALIATVQCFEWKRVSEVVLDLTGKGLTMPKPEPIMARCEARDIFHKVLSSEIS

SEQ ID No.:120 D73A-AD7

LGIACTVNVNMLARMIQEFEWNSAYPENRKVDFTEKLEFTVVMKPLRAKVKPRNQVV

SEQ ID No.:136 D185-BG2
(77.5)

LGIACTVNVNMLARMIQEFEWNSAYPENRKVDFTEKLEFTVVMKPLRAKVKPRNQVV

SEQ ID No.:122 D58-AA1
(98.2)

LGIACTVNVNMLARMIQEFEWNSAYPENRKVDFTEKLEFTVVMKPLRAKVKPRNQVV

SEQ ID No.:134 D185-BC1
(98.2)

【図150-4】

グループ25
YALAMHLILEYFVANLWVWFRWEAVEGDDVDSLSEKLEPTVWVNNPFLRARIKCPVNSIグループ26
QQVGLLRTTIFIASLLSEYKLKPRSHQKVQELTDLNPPASWLSHISIKGELLVDAIPRKKAAPグループ27
ITPAKFVNELALARLMFHEDFSLPKGVVIGHEDLDVEEAGITVRRKFPLLLAVATPCS

ITPAKFVNELALARLMFHFDFSLPKGVVGHADLOVEEAGITVRRKFPLLLAVATPCS

グループ28
QRYALNHMLFIALFLALDFKRRHKTGDCDDIAYIPTIAPKDDCKVFLSQRKTRPPSFS

MSFGLANLFLAQLYHFDWKLPTGINSRMTMNPPLKVVCTPREDLQLQLSQL

ISFGLANVVLPLAQQLYHFDWKLPTGINSRMTMNPPLKVVCTPREDLQLQLSQL

グループ30
QNFAMFLEAKTTLAMILQRFSEFLSPSYAHAPQSIITCNPSNVHLFCIKYSLILVSSV5FVYHESKNLRLVELQNGNAFALVHCRLLグループ31
ADMGLRAVELALGALIQCFDWQIIEEAESESLEESYNSRMTMNPPLKVVCTPREDLQLQLSQL

NNYSLQVHEVNLIAHMHQGSEFATTNEPLDQMKGQVGLTLPKKTDVEVLLPRLPFTLVQY

SEQ ID No.:124 D73A-AB10

SEQ ID No.:126 D56A-AC12

SEQ ID No.:128 D177-BF7

SEQ ID No.:140 D185-BD2

SEQ ID No.:130 D73A-AG3

SEQ ID No.:132 D70A-AA12

SEQ ID No.:86 176-BF2

SEQ ID No.:146 D176-BC3

SEQ ID No.:148 D176-BB3

SEQ ID No.:6 D196-AB4

最も関連している対の間の同一性%を(0.0%)で表す。各グループは、他のグループメンバーに対して少なくとも70%の同一性をもっていた。グループ19は70.0%の最低%の同一性を含んでいた。

【図151-1】

FIGURE 151: 配列グループの比較

グループ1のアライメント

D56-BG7 GCAACACTTGTCTATCACAATGGTCACTATGTTGGTCAATTGTTGCACTATTTTAC SEQ ID No 1

D56-AB1 GCAACACTTGTCTATCACAATGGTCACTATGTTGGTCAATTGTTGCACTATTTTAC SEQ ID No 3

D56-BE4 GCAACACTTGTCTATCACAATGGTCACTATGTTGGTCAATTGTTGCACTATTTTAC SEQ ID No 7

D56-BG7 TGGCTCCGGCCCGGGGGTAAACGGGGATAATTGACTGGGGAGAGCCCTGGAGCA SEQ ID No 9

D56-AB1 TGGCTCCGGCCCGGGGGTAAACGGGGAGAGCCCTGGAGCA SEQ ID No 11

D56-BE4 TGGCTCCGGCCCGGGGGTAAACGGGGAGAGCCCTGGAGCA SEQ ID No 13

D56-BG7 GTAACCTTACATGAAAATCCATCAAGCTATTCAGTCCAGAGATGCTCTGCACACTTG SEQ ID No 15

D56-AB1 GTAACCTTACATGAAAATCCATCAAGCTATTCAGTCCAGAGATGCTCTGCACACTTG SEQ ID No 17

D56-BE4 GTAACCTTACATGAAAATCCATCAAGCTATTCAGTCCAGAGATGCTCTGCACACTTG SEQ ID No 19

グループ1の同一性%

D56-BG7 96.2 D56-BE4 98.1 D56-AB1 98.1

D56-BE4 *** 94.0 D56-AB1 ***

D56-AB1 ***

D56-BG7 TATGGACCTTGCGCACTGGATATGTA SEQ ID No 1

D56-AB1 TATGGACCTTGCGCACTGGATATGTA SEQ ID No 3

D56-BE4 TATGGACCTTGCGCACTGGATATGTA SEQ ID No 5

グループ2のアライメント

D56-AH7 GAAAGTTGGCTTGTGCAATGGTGTGCAATTGGGATGTTATTATCAATGCTTTGAT SEQ ID No 9

D13a-5 GAAAGTTGGCTTGTGCAATGGTGTGCAATTGGGATGTTATTATCAATGCTTTGAT SEQ ID No 11

D56-AH7 TGGCAACGAACTGGCAAGAGATTTGGTGTGATGACTGAGGACTGGACCTACTTGGCT SEQ ID No 13

D13a-5 TGGCAACGAACTGGCAAGAGATTTGGTGTGATGACTGAGGACTGGACCTACTTGGCT SEQ ID No 15

D56-AH7 AAAGCTCACCCITTGCGCAAGTGTGCACTGGCAACGCCATAAAATGGCTAAATCTTCTCT SEQ ID No 17

D13a-5 AAAGCTCACCCITTGCGCAAGTGTGCACTGGCAACGCCATAAAATGGCTAAATCTTCTCT SEQ ID No 19

D56-AH7 CAGATTGA SEQ ID No 1

D13a-5 CAGATTGA SEQ ID No 3

グループ2の同一性%

D56-AH7 96.2 D13a-5 93.7

D13a-5 ***

D56-AH7 TATGGACTTGCGCACTGGATATGTA SEQ ID No 9

D13a-5 TATGGACTTGCGCACTGGATATGTA SEQ ID No 11

【図151-2】

FIGURE 151: 配列グループの比較

グループ3のアライメント

D56-AG10 ATAGTTTGGCGTTTGAGTACATCTGGCTTCAAGGTTGGT SEQ ID 1

D35-33 ATAGTTTGGCGTTTGAGTACATCTGGCTTCAAGGTTGGT SEQ ID 1

D34-62 ATAAATTTGGCGTTTGAGTACATCTGGCTTCAAGGTTGGT SEQ ID 1

D56-RG10 TTAGTAAAGCATCAACACGGCAATTGACATGACAGPAGGCGTAAAGCTTACCTGGCT

D35-33 TTAGTAAAGCATCAACACGGCAATTGACATGACAGPAGGCGTAAAGCTTACCTGGCT

D34-62 TTAGTAAAGCATCAACACGGCAATTGACATGACAGPAGGCGTAAAGCTTACCTGGCT

D56-AG10 AAGGTTTAACTGAAAGTTCTAAATTACCCCTGTTTACCTCTTAAGCTTAAATTTTGTA

D35-33 AAGGTTTAACTGAAAGTTCTAAATTACCCCTGTTTACCTCTTAAGCTTAAATTTTGTA

D34-62 AAGGTTTAACTGAAAGTTCTAAATTACCCCTGTTTACCTCTTAAGCTTAAATTTTGTA

FIGURE 152c: 全長クローンのアライメント

FIGURE 152A: 全長クローンのアラインメント

FIGURE 152D: 全長クローンのアライメント

FIGURE 152B: 全長クローシングのアライシメント

Ex-BxR ²	ETRURHPTP LILPHYSTKD CIVEGYDVK HTMLFVYNAW IIRPKYKWE PRKTKRKF AEGETEREN YKLVPFNGR RAC SEQ. ID. No. 313	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTP LILPHYSTKD CIVEGYDVK HTMLFVYNAW IIRPKYKWE PRKTKRKF AEGETEREN YKLVPFNGR RAC SEQ. ID. No. 314	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTP LILPHYSTKD CIVEGYDVK HTMLFVYNAW IIRPKYKWE PRKTKRKF AEGETEREN YKLVPFNGR RAC SEQ. ID. No. 315	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTPMLVPRECED IVKAYDVK GTRVNSVWT IGRPTLMD PEVYKPERH EKSDYKHDH YELLPGKGR RVC SEQ. ID. No. 316	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTPMLVPRECED IVKAYDVK GTRVNSVWT IGRPTLMD PEVYKPERH EKSDYKHDH YELLPGKGR RVC SEQ. ID. No. 317	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTPMLVPRECED IVKAYDVK GTRVNSVWT IGRPTLMD PEVYKPERH EKSDYKHDH YELLPGKGR RVC SEQ. ID. No. 318	Gx RxC
Ex-BxR ²	F*PERF	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTP IMPHRASAS VKIGGYDVK GSIVHVNNA VARDPAWN PLEFPERL EDVOKGHD YLLPGKGR RVC SEQ. ID. No. 319	Gx RxC
Ex-BxR ²	F*PERF	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTP IMPHRASAS VKIGGYDVK GSIVHVNNA VARDPAWN PLEFPERL EDVOKGHD YLLPGKGR RVC SEQ. ID. No. 320	Gx RxC
Ex-BxR ²	F*PERF	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTPMLPHCATED CVAGYDVK GTTVNWT IGRPKYKWR AQEFLPERL ENDIDGHN FAFLPGKGR RVC SEQ. ID. No. 321	Gx RxC
Ex-BxR ²	F*PERF	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTPMLPHCATED CVAGYDVK GTTVNWT IGRPKYKWR AQEFLPERL ENDIDGHN FAFLPGKGR RVC SEQ. ID. No. 322	Gx RxC
Ex-BxR ²	F*PERF	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTPMLPHCATED CVAGYDVK GTTVNWT IGRPKYKWR AQEFLPERL ENDIDGHN FAFLPGKGR RVC SEQ. ID. No. 323	Gx RxC
Ex-BxR ²	F*PERF	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTPMLPHCATED CVAGYDVK GTTVNWT IGRPKYKWR AQEFLPERL ENDIDGHN FAFLPGKGR RVC SEQ. ID. No. 324	Gx RxC
Ex-BxR ²	F*PERF	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTPMLPHCATED CVAGYDVK GTTVNWT IGRPKYKWR AQEFLPERL ENDIDGHN FAFLPGKGR RVC SEQ. ID. No. 325	Gx RxC
Ex-BxR ²	F*PERF	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTPMLPHCATED CVAGYDVK GTTVNWT IGRPKYKWR AQEFLPERL ENDIDGHN FAFLPGKGR RVC SEQ. ID. No. 326	Gx RxC
Ex-BxR ²	F*PERF	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTPMLPHCATED CVAGYDVK GTTVNWT IGRPKYKWR AQEFLPERL ENDIDGHN FAFLPGKGR RVC SEQ. ID. No. 327	Gx RxC
Ex-BxR ²	F*PERF	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTPMLPHCATED CVAGYDVK GTTVNWT IGRPKYKWR AQEFLPERL ENDIDGHN FAFLPGKGR RVC SEQ. ID. No. 328	Gx RxC
Ex-BxR ²	F*PERF	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTPMLPHCATED CVAGYDVK GTTVNWT IGRPKYKWR AQEFLPERL ENDIDGHN FAFLPGKGR RVC SEQ. ID. No. 329	Gx RxC
Ex-BxR ²	F*PERF	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTPMLPHCATED CVAGYDVK GTTVNWT IGRPKYKWR AQEFLPERL ENDIDGHN FAFLPGKGR RVC SEQ. ID. No. 330	Gx RxC
Ex-BxR ²	F*PERF	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTPMLPHCATED CVAGYDVK GTTVNWT IGRPKYKWR AQEFLPERL ENDIDGHN FAFLPGKGR RVC SEQ. ID. No. 331	Gx RxC
Ex-BxR ²	F*PERF	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTPMLPHCATED CVAGYDVK GTTVNWT IGRPKYKWR AQEFLPERL ENDIDGHN FAFLPGKGR RVC SEQ. ID. No. 332	Gx RxC
Ex-BxR ²	F*PERF	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTPMLPHCATED CVAGYDVK GTTVNWT IGRPKYKWR AQEFLPERL ENDIDGHN FAFLPGKGR RVC SEQ. ID. No. 333	Gx RxC
Ex-BxR ²	F*PERF	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTPMLPHCATED CVAGYDVK GTTVNWT IGRPKYKWR AQEFLPERL ENDIDGHN FAFLPGKGR RVC SEQ. ID. No. 334	Gx RxC
Ex-BxR ²	F*PERF	Gx RxC
Ex-BxR ²	ETRURHPTPMLPHCATED CVAGYDVK GTTVNWT IGRPKYKWR AQEFLPERL ENDIDGHN FAFLPGKGR RVC SEQ. ID. No. 335	Gx RxC

(69)

JP 2006-519590 A 2006.8.31

【図 152-5】

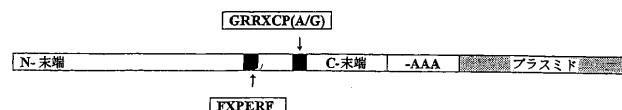
FIGURE 152: 全長クローンのアライメント

ExPERF ESIPLYPPVV SLIRPNEDA ILGNVSLPG VLISLPEVIL HIDEELNGKD KKFPEREP DGVSATKQV VPFEPFWEP RIC SEQ. ID. No. 356 ESIPLYPPVV TLTRPKEDT VLADVSLPG VLISLPEVIL HIDEELNGKD AKKFPEREP DGVSATKQV VPFEPFWEP RIC SEQ. ID. No. 357	ExPERF ESIPLYPPVV SLIRPNEDA ILGNVSLPG VLISLPEVIL HIDEELNGKD KKFPEREP DGVSATKQV VPFEPFWEP RIC SEQ. ID. No. 356 ESIPLYPPVV TLTRPKEDT VLADVSLPG VLISLPEVIL HIDEELNGKD AKKFPEREP DGVSATKQV VPFEPFWEP RIC SEQ. ID. No. 357
--	--

グループ 17
 D28-4-AHS
 86.7
 D110-As12

【図 153】

Figure 153: PCR によるシトクロム p450 cDNA フラグメントのクローニング



	EXPERF -for	EXPERF
DM		5'-TTYIIICCIIGARMGITYT-3'
DM4	GRRXCP(A/G)-for	5'-GGIMGIMGIIITGYCCIG-3'
DM12	FKPERF-for	5'-TTYAAR CCTGAGAGATT-3'
DM13	PERFL-for	5'-CCAGARAGATTCTG-3'
DM17	GRRMCP-for	5'-GGRMGRMGRATGTGYCC-3'
OLIGO d(T)		5'-TTTTTTTTTTTTTTT-3'
T7		5'-ATTATGCTGAGTGATATCCC-3'
SP6		5'-ATTAGGTGACACTATAG-3'

I = デオキシノシヌクレオチド; Y = C, T; M = A, C; R = A, G; S = C, G; N = A, T, C, G

フロントページの続き

(51)Int.Cl.

F I

テーマコード(参考)

G 01N 33/53

M

(81)指定国 AP(GH,GM,KE,LS,MW,MZ,SD,SL,SZ,TZ,UG,ZM,ZW),EA(AM,AZ,BY,KG,KZ,MD,RU,TJ,TM),EP(AT, BE,BG,CH,CY,CZ,DE,DK,EE,ES,FI,FR,GB,GR,HU,IE,IT,LU,MC,NL,PT,RO,SE,SI,SK,TR),OA(BF,BJ,CF,CG,CI,CM,GA, GN,GQ,GW,ML,MR,NE,SN,TD,TG),AE,AG,AL,AM,AT,AU,AZ,BA,BB,BG,BR,BY,BZ,CA,CH,CN,CO,CR,CU,CZ,DE,DK,DM,DZ, EC,EE,EG,ES,FI,GB,GD,GE,GH,GM,HR,HU,ID,IL,IN,IS,JP,KE,KG,KP,KR,KZ,LC,LK,LR,LS,LT,LU,LV,MA,MD,MG,MK,M N,MW,MX,MZ,NI,NO,NZ,OM,PG,PH,PL,PT,RO,RU,SC,SD,SE,SG,SK,SL,SY,TJ,TM,TN,TR,TT,TZ,UA,UG,US,UZ,VC,VN,YU ,ZA,ZM,ZW

(74)代理人 100096013

弁理士 富田 博行

(74)代理人 100128750

弁理士 福所 しのぶ

(72)発明者 シュー, ドンメイ

アメリカ合衆国ケンタッキー州 40391, ウィンチェスター, ピー・オー・ポックス 237

F ターム(参考) 2B030 AA02 AB03 AD08 CA14

4B024 AA08 AA11 BA08 CA01 CA04 CA09 CA11 DA01 EA04 HA12

4B063 QA13 QQ09 QQ13 QQ22 QQ43 QR32 QR35 QR40 QR55 QR62
QS05 QS25 QS34

4H045 AA10 AA20 AA30 BA52 CA30 DA89 EA05 EA50 FA74